

(2) impliziert
Zufalls-Stichprobe

1. $\eta = X\beta + \varepsilon$ (Stichprobenannahme - ohne sein gar nichts)
2. $E(\varepsilon_i) = 0$ 3. $\text{Var}(\varepsilon_i) = \sigma^2 \text{ const.}$
4. ε_i paarweise unabhängig
5. $\varepsilon_i \sim N(0, \sigma^2)$

wobei KQ-Methode generell
gar nicht auf parametrisches
Modell angewiesen.

d) Messen alle aufgenommenen Kovariablen X_1, \dots, X_l unkorreliert sein?
Nein (aber es wäre ideal, wenn es so ist). Sie dürfen nur nicht perfekt
oder näherungsweise perfekt linear abh. sein. $\text{Corr}(\cdot) = +1 = -1$, dann dann
ist $X^T X$ nicht mehr (stabil) invertierbar.

MLE weniger
fehleranfällig, weil
wir Annahmen (2)
bis (5) grundsätzlich vorher
prüfen müssen

a) Welche Annahmen 1.) - 5.) sind für die in den Zeilen angegebenen Schätzer, Eigenschaften
bzw. Größen notwendig? **Multipler Regressionsmodell:** η gewicht. $i = \beta_0 + \beta_1 \text{größe}_i + \beta_2 \text{alter}_i + \beta_3 \text{geschlecht}_i + \varepsilon_i$

	"wunderschöne" Gerade				
	1.)	2.)	3.)	4.)	5.)
KQ-Schätzer		X	(2) bis (5)	$\hat{\beta}_{KQ} = \hat{\beta}_{MLE}$	
ML-Schätzer		X	X	X	X
$E(\hat{\beta}) = \beta$	X	X			
$\hat{\beta} \sim N(\beta, \sigma^2(X'X)^{-1})$	X	X	X	X	$(X)^*$
Konfidenzintervalle	X	X	X	X	$(X)^*$
(von Regressionskoeffizienten, Prädiktionen, ...)					
Prädiktionsintervalle	X	X	X	X	X
(von Prädiktionen, ...)					

Asymptotisch ist jeder MLE-Schätzer normalverteilt?

großes n kann falsche Verteilungsannahme (ε_i) kompensieren

* Diese Eigenschaften gelten auch für ausreichend großen Stichprobenumfang n approximativ. Für kleine Stichprobenumfänge ist die Normalverteilungsannahme jedoch zwingend notwendig!

\Rightarrow Verteilungsannahmen (ε_i) und Varianzannahmen (ε_i) können total falsch sein \hookrightarrow struktureller Effekt tritt auf, unverzerrt sind aber
Hinweis: Besonders anzumerken ist, dass für den KQ-Schätzer nichts weiter benötigt wird
als die Modellgleichung. Nimmt man zusätzlich noch an, dass der Erwartungswert der Residuen 0 ist, sind die Schätzer für β sogar erwartungstreu.

Um Konfidenz-Intervalle bilden zu können sind alle 5 Annahmen notwendig (oder 1.)-4.)
und eine große Stichprobe). Für Prädiktions-Intervalle sind stets alle 5 Annahmen notwendig (insbesondere genügt hier auch eine ausreichend große Stichprobe NICHT).

- b) • Annahme 1.) $Y = X\beta + \varepsilon$ (Linearität)
unverzerrte Trendschätzung (1-2 reichen) vs. unverzerrte Trend-Extrapolation (3-5 nötig)

Es wird angenommen, dass sich die Zielgröße (Körpergewicht) als eine Linearkombination aus den Einflussgrößen (Alter, Körpergröße) beschreiben lässt - also z.B. konkret dass sich das Gewicht von Grundschulkindern direkt nach der Formel in der Angabe berechnen lässt (und nicht z.B. *Gewicht = Alter* Größe oder sonst einer anderen Formel).

Diese Annahme scheint als Laie beurteilt nicht vollkommen unplausibel und kann daher zunächst so angenommen werden.

Hinweise: Diese Annahme ist vor allem von Wissenschaftlern aus dem jeweiligen Fachgebiet zu beurteilen. Es gibt jedoch Methoden der Modelldiagnostik (Residuen-vs.-Kovariablen-Plot), welche noch später im Kurs behandelt werden, mit der man diese Annahme im Nachhinein beurteilen kann. Auch gibt es die Möglichkeit Einflussvariablen nicht-linear ins Modell aufzunehmen (z.B. via Splines, welche ebenso später im Kurs behandelt werden).

- Annahme 2.) $E(\varepsilon_i) = 0$ **oder eine vernünftige Annahme!**

Die Residuen sind zufällige Fehler. Man nimmt an, dass diese Fehler im Erwartungswert 0 sind. Anders ausgedrückt: Die Modellgleichung $Y = X\beta$ spiegelt den Zusammenhang wieder. Es kommt keine systematische Störgröße ε mehr hinzu, von der man erwarten kann, dass sie im Mittel nicht 0 ist.

Exkurs zu Median (ϵ_i)

$E(\epsilon_i) = 0 \rightarrow$ Per KQ-Design ist immer $MM(\beta_i) = 0$, da steckt keine Information drin
Schauen uns $Med(\epsilon_i)$ an, da kann man schiefte Verteilung der Fehler $-log(-E(\epsilon_i) \neq 0)$ tatsächlich erkennen

Davon gehen wir aus.

(3) steckt inhärent in Likelihood drin

- Annahme 3.) $Var(\epsilon_i) = \sigma^2$: Homoskedastizität (Varianzhomogenität)

Es wird angenommen, dass die Varianz für jede Beobachtung identisch ist.

Diese Annahme könnte verletzt sein. Z.B. könnte bei größeren Kindern das Gewicht stärker streuen, als bei kleineren Kindern. Bei größeren Kindern könnte also eine höhere Varianz vorliegen.

Hinweise: Auch dies können ggf. Wissenschaftler aus dem jeweiligen Fachbereich besser beurteilen.

Prüfen kann man diese Annahme mittels später im Kurs vorgestellten Residuen-Plots (z.B. Residuen-vs.-Fitted values oder Residuen-vs.-Kovariate-Plot).

Die Varianz-Annahme kann auch aufgeweicht werden (z.B. via verallgemeinerte lineare Modelle, welche später im Kurs vorgestellt werden).

(4) nötig für ML: Bildung der Likelihood $\prod_{i=1}^n$ erfordert Unabh. der Beobachtungen ϵ_i zum Auseinanderstellen

- Annahme 4.) ϵ_i paarweise unabhängig

Es wird angenommen, dass die Beobachtungen der Zielgröße bei gegebenen Einflussgrößen unabhängig sind.

Diese Annahme ist bei der Wahl einer einigen kleinen Grundschule unwahrscheinlich. Es könnten z.B. Kinder der selben Familie in die Schule gehen und vielleicht genetisch bedingt zu Fettleibigkeit neigen. Diese Beobachtungen wären also z.B. nicht unabhängig voneinander.

Hinweise: Auch bei Verletzung dieser Annahme gibt es modellierungstechnische Möglichkeiten dies zu berücksichtigen. Z.B.

mittels Gemischten Modellen (Mixed Models - z.B. für einen weiteren zufälligen Effekt für jede Familie - später in diesem Kurs) oder Korrelationen zwischen Beobachtungen (Generalized Estimation Equations (GEE) \rightarrow Vorlesung: Generalisierte Regression).

- (5) MLE braucht Verteilung mit konst. Varianz, aber es muss nicht unbedingt MV sein, denn jetzt Angenahme auf new data
Annahme 5.) $\epsilon_i \sim N(0, \sigma^2)$ dasselbe gilt für Prediction. Man sollte sich um Verteilung der Fehler (egal welche) sicher sein!

Dass die übrige Reststreuung normalverteilt ist, ist durchaus denkbar. Störgrößen sind in der Natur häufig normalverteilt. Auch der Wertebereich der Zielgröße lässt nicht auf mögliche Verletzung der Normalverteilungsannahme hindeuten.

Explizit aufpassen muss man, wenn z.B. offensichtlich ist, dass die Größe nicht normalverteilt sein kann. Dies ist z.B. der Fall wenn die Zielgröße binär ist, nur ganze Zahlen annehmen kann oder häufig Werte an den Grenzen des möglichen Wertebereichs hat.

Hintergrund: Die Normalverteilung ist eine stetige, symmetrische Verteilung mit Werten von $-\infty$ bis ∞ . In den gerade genannten Fällen können die Residuen (= tatsächlicher y-Wert - geschätzter y-Wert) nicht oder nur schwer einer Normalverteilung folgen.

Überprüfen kann man die Normalverteilungsannahme z.B. mit dem später im Kurs vorgestellten Q-Q-Plot.

c) Solange die Annahmen 1.) und 2.) erfüllt sind, können die Regressionsparameter problemlos interpretiert werden. Insbesondere für die Interpretation von Konfidenzintervallen, p-Werten etc. müssen aber entsprechende Annahmen erfüllt sein! (Es geht um die konkrete Bezifferung von Wahrscheinlichkeiten). Falls dies (teilweise) nicht der Fall ist, können diese wahrscheinlichkeitsbasierten Kennzahlen evtl. noch als Indikatoren für selbige verwendet werden, aber keinesfalls explizit mit Wahrscheinlichkeits-Interpretation!

e) Körpergröße und Alter sind korrelierte Einflussgrößen. Was folgt daraus für Interpretation der einzelnen Reg.koeffizienten, c.p.? Interpretation zunächst normal wie üblich: z.B. "Wenn Alter um ein Jahr steigt, nimmt Gewicht im Mittel um 3kg zu!"

Vorsicht! Modellstrichlegung besagt nicht, dass Kind pro Jahr im Schnitt 3kg zunimmt. Kind wird auch wachsen u. insgesamt pro Jahr \rightarrow 3kg an Gewicht zunehmen. Folgt es geht nur um Effekt auf verschiedenen ehe Kinder gleicher Körpergröße!! Kombination möglich! Wieviel Gewichtszunahme durchschnittl. wenn Kind hohes Alter? Es geht nur um Effekt auf verschiedenen ehe Kinder gleicher Körpergröße!! Kombination möglich! Wieviel Gewichtszunahme durchschnittl. wenn Kind hohes Alter? Es geht nur um Effekt auf verschiedenen ehe Kinder gleicher Körpergröße!! Kombination möglich!