

strain	resistance			Mutations															
	Average	Home	Away	sugar synthesis				glycosyl transferases						transport					
				99	102	103	104	105	139	140	218	232	1859	136	219	260	<i>uup</i>	<i>uupS</i>	1356
01N2S3	1.00	1.00	1.00																
01N3S3	0.32	0.24	0.40						1										
01N5S4	0.32	0.24	0.40											1					
01P3S1	0.34	0.40	0.29																
01P4S5	0.31	0.35	0.27																
01P5S1	0.37	0.43	0.28																
03N1S1	0.40	0.31	0.48																
03N2S5	0.31	0.27	0.36					1											
03N3S2	1.00	1.00	1.00												1				
03N3S4	0.30	0.22	0.38												1				
03N5S2	0.29	0.20	0.38										1						
03P2S4	0.32	0.37	0.27													1			
03P3S5	0.36	0.35	0.38														1		
03P5S5	1.00	1.00	1.00																
05N2S5	1.00	1.00	1.00																
05N3S3	1.00	1.00	1.00		1														2
05P2S1	0.99	1.00	0.98					1											
05P2S2	1.00	1.00	1.00																
05P3S1	0.29	0.30	0.29								1							1	
05P4S4	1.00	1.00	1.00																
05P5S4	0.35	0.40	0.31																
12P2S5	0.00	0.00	0.00																
12P3S4	1.00	1.00	1.00		1		1								1				
12P4S2	1.00	1.00	1.00																
16N5S4	1.00	1.00	1.00												1				
16P3S2	1.00	1.00	1.00				1												
16P5S2	1.00	1.00	1.00																
19N3S4	1.00	1.00	1.00												1				
19P3S4	1.00	1.00	1.00																
19P5S2	1.00	1.00	1.00			2													
21N2S3	1.00	1.00	1.00		1														1
21N3S2	1.00	1.00	1.00		1														2
21P2S4	1.00	1.00	1.00	1	1	2	2												
21P3S4	0.36	0.45	0.27																
21P4S2	1.00	1.00	1.00				1			1		1							1
21P5S1	0.93	0.92	0.93				2												