TP Techniques heuristiques

De Mathis ENGELS, Thomas BAUDUIN, Flavien CARPENTIER et Anthony BACKER



Table des matières

I. Présentation	4
Interface d'accueil	
Menu « Import »	
Menu « Get code »	
Utilisation	
Etape 1 - Se rendre sur la web app	
Etape 2 - Importer de la donnée	
Etape 3 - Choisir l'algorithme et la distance	
Etape 4 - Lancer la visualisation	
Etape 5 - Résultat de la visualisation	
Etape 6 - Expérimentez!	
Remarques importantes	
II. Reading the data and representing a solution	13
Explication	
Pseudo code	
Exemple	
III. Procedure for constructing an initial feasible solution	15
Explication	
Pseudo code	
Résultat	
IV. Procedure to verify if a solution is feasible or not	17
Explication	
Pseudo code	
Exemple	
V. Procedure to calculate the number of occupied seats in the solution	18
Explication	
Pseudo code	

Exemple	
VI. Local search procedures	19
Explication	
Pseudo code	
Résultat	
VII. Developing a metaheuristic algorithm	22
Explication	
Pseudo code	
Résultat	
IIX. Rappel	26

I. Présentation

Pour ce TP, nous voulions le résoudre de manière originale et visuelle. De ce fait, nous avons développé une web app qui résout le problème MSA (Maximum Seats Allocation) visuellement.

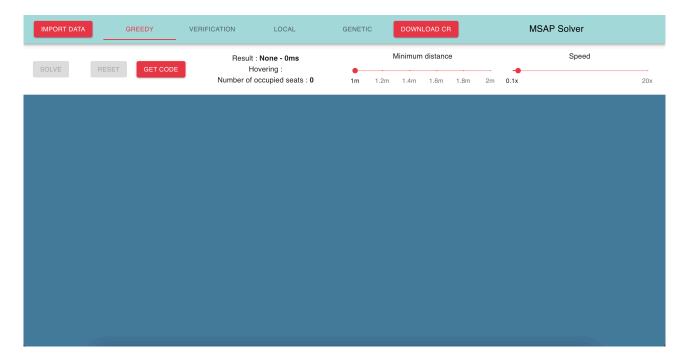
La web app est disponible sur Vercel : https://msap-solver.vercel.app

Le GitHub du projet est disponible à : https://github.com/LesCop1/comp-heur où un README.md est disponible, vous expliquant comment mettre en place la web app, sur votre ordinateur personnel.

La démo de la web app

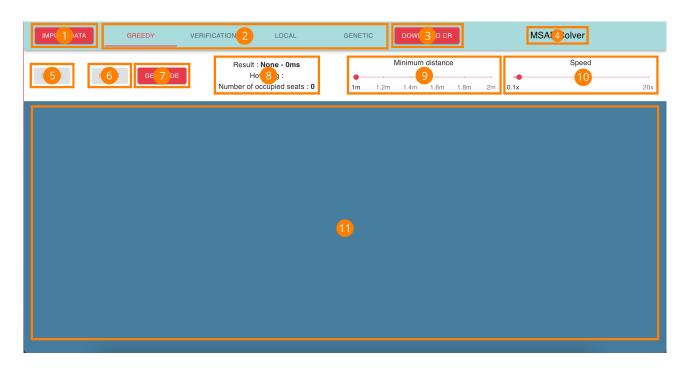
Avant de répondre aux questions, nous voulions vous présenter l'interface de la web app afin que vous puissiez l'utiliser à son plein potentiel.

Une fois que vous accéder à la web app, vous devriez voir ceci :



Décortiquons l'interface ensemble.

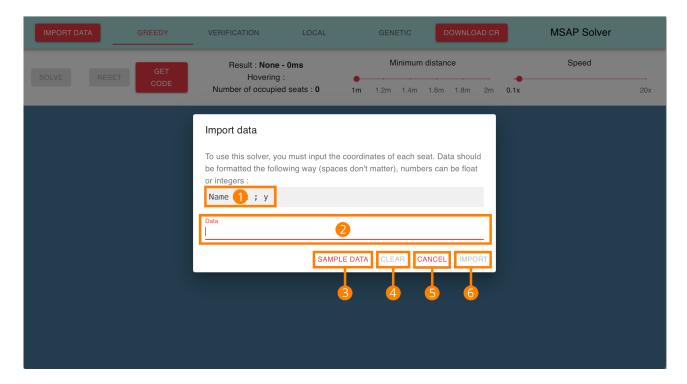
Interface d'accueil



- 1 Accès au menu « Import » / Supprimer la data. *
- 2 Accès aux différents algorithmes. *
- 3 Télécharger le compte rendu, celui que vous êtes en train de lire.
- 4 Le nom de la web app.
- 5 Lancer / Finir la visualisation de l'algorithme.
- 6 Reset les couleurs des places.
- 7 Accès au menu « Get code ».
- 8 Données, en direct, de la simulation.
- 9 Slider de la distance minimum pour l'algorithme. *
- 10 Slider de la vitesse de la visualisation. Peut être modifié dynamiquement, c'est-à-dire lorsque la visualisation est en fonctionnement.
- 11 Espace de visualisation des algorithmes.
- * : Cliquer / Faire une modification de ses paramètres entrainera le recalcul de l'algorithme, merci d'être patient après une modification.

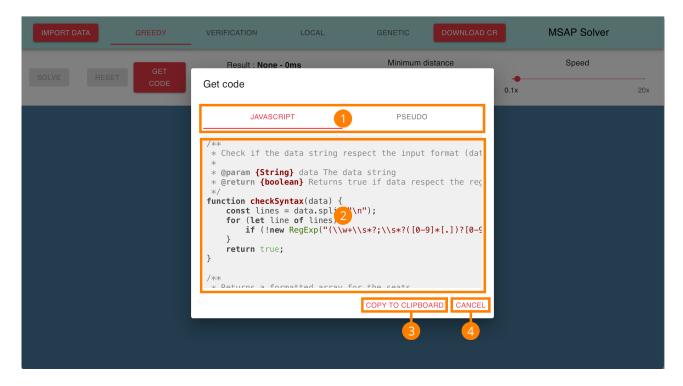
Passons au menu « Import ».

Menu « Import »

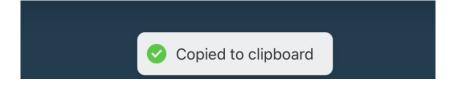


- 1 Le format à respecter pour la donnée.
- 2 L'espace dans lequel doit être saisi la donnée.
- 3 Rentrer dans l'espace (2), une donnée d'exemple (Celle qui était disponible avec le sujet).
- 4 Supprime la donnée qui est dans (2). *
- 5 Ferme le menu « Import ».
- 6 Importe la donnée présente dans (2). **
- * : Le bouton sera actif seulement si il y a de la donnée dans (2).
- ** : Le bouton sera actif seulement si la donnée respecte le format (1).

Menu « Get code »



- 1 Langage du code.
- 2 Code.
- 3 Copie le code dans le presse-papier. *
- 4 Ferme le menu « Get code ».
- * : Lorsque vous cliquez sur ce bouton, une confirmation apparait en bas de la page pour confirmer que le contenu a bien été copié.



Utilisation

Etape 1 - Se rendre sur la web app

Tout premièrement, rendons-nous sur la web app, en allant sur http://localhost:3000 ou sur Vercel :

Etape 2 - Importer de la donnée

Ensuite cliquons sur le bouton « Import Data ». Lorsque le menu s'ouvre, cliquons sur « Sample Data » puis « Import ».

Vous devriez avoir ceci:



Les ronds que vous apercevez sont les places.

Les places peuvent avoir 3 couleurs différentes :

- Blanc : La place n'a pas d'état, elle n'est pas prise et ne pose pas de problème.*
- Vert : La place est prise.
- Rouge: La place ne peut pas être prise car elle est trop proche d'autre place.
- * : Pour les algorithmes « Local » et « Genetic » peu de place rouge vont apparaître, nous avons fait ce choix afin de gagner en performance.

Etape 3 - Choisir l'algorithme et la distance

Il y a deux types d'algorithmes. Le premier type d'algorithme fait de la résolution alors que l'autre fait de la vérification.

Les algorithmes « Greedy », « Local » et « Genetic » font partie du premier type. « Verification » fait partie du deuxième type.

Si vous choisissez un algorithme du premier type, il vous suffit de sélectionner celui que vous désirez avec la distance souhaitée.

Merci d'être patient lorsque vous sélectionnez ce type d'algorithme. Plus de détails dans « Remarques importantes ».

Si vous voulez utiliser l'algorithme de vérification, vous devriez rentrer les sièges pris. Lorsque vous cliquerez sur un rond (une place), elle deviendra verte. Si vous recliquez sur une place déjà verte, elle redeviendra blanche.

Pour sélectionner la distance souhaitée, faites simplement glisser le slider.

Etape 4 - Lancer la visualisation

Cliquer sur le bouton « Solve » ou « Verify » pour lancer la visualisation.

Par exemple, pour le greedy avec 1m de distance, la visualisation est :



Vous pouvez apercevoir les données en direct dans la zone (8) voir page 6. Si vous le souhaitez, vous pouvez modifier le slider « Speed » pendant l'exécution de la visualisation afin d'augmenter la vitesse de celle-ci.

Deux nouveaux boutons sont apparus : « End » et « Stop ».

Le bouton « End » vous amène directement à la fin de la visualisation.

Le bouton « Stop » arrête la visualisation.

Etape 5 - Résultat de la visualisation

En cliquant sur le bouton « End » ou en attendant la fin de la visualisation, vous aurez le résultat de l'algorithme.

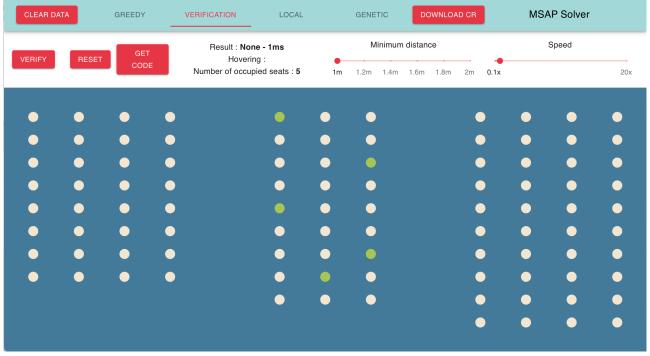
Pour « greedy » avec 1m, le résultat est :



On voit que l'algorithme a pris 1ms et qu'il y a 28 sièges occupés.

Pour « verification » avec 1m de distance on sélectionne les places « 33, 53, 37, 57, 49 ».

On remarque, qu'après avoir rentré des places, le bouton « verify » est activé. On décide de faire fonctionner la visualisation en cliquant dessus.



Malheureusement, on remarque que le résultat est « impossible » et nous avons 2 sièges en rouge. Ces sièges rentrent en conflit.



Le bouton « Verify » est maintenant bloqué, vous devez enlever tous les sièges en rouge afin de le ré-exécuter.

Afin de retirer les sièges rouges, vous devez cliquer dessus afin qu'ils deviennent blancs. Après modification, on obtient :



Sans le siège 57, cette configuration est donc possible.

Etape 6 - Expérimentez!

A partir de ce point, vous pouvez tester chaque algorithme et vous devriez avoir la connaissance nécessaire de l'outil afin de l'utiliser à son plein potentiel.

Il reste un bouton que nous n'avons pas parlé, le bouton « Reset ». Il permet d'effacer toutes les couleurs et de remettre tous les sièges en blanc.

Ce bouton n'est pas nécessaire. A chaque fois que vous cliquez sur «Solve », «Reset » sera appelé. Ce bouton est surtout utile pour «Verification ».

Remarques importantes

Il est important de préciser que cet outil est une web app et que ses performances varient en fonction de la capacité de votre ordinateur / navigateur web.

Notre outil, codé principalement en Javascript, n'utilise pas de web-worker ce qui le réduit à un simple thread. Ceci engendre des ralentissements si la complexité de l'algorithme est grande.

De ce fait, nous vous invitons à être patient quand vous utiliser le *MSAP Solver* avec les paramètres suivants :

- « Genetic » (les calculs prennent de 1 à 4-6 secondes en fonction de la distance, du nombre de places, et la puissance de votre machine).
- « Local » (les calculs prennent de 1 à 2-3 secondes en fonction de la distance, du nombre de places, et la puissance de votre machine).

Merci d'être patient et de ne pas cliquer répétitivement sur un bouton lorsque le résultat n'est pas instantané.

Il faut comprendre que le calcul des algorithmes se réalise lorsqu'une de ses 3 conditions change :

- Data importée
- Distance
- Algorithme

Merci de votre compréhension.

II. Reading the data and representing a solution

Explication

Nous avons décidé de représenter la donnée différemment que dans l'exemple fourni. Le format que nous avons adopter est le suivant : nom ; x ; y

Nous trouvons que ce format est plus adapté, il évite les erreurs de frappe et est bien structuré.

Une fois ce format respecté, la donnée est transformée en tableau d'objet tel que : [{name: name1, x: x1, y: y1}, ...]

Notre manière de représenter une solution est un tableau, contenant les index des places sélectionnées se basant sur le tableau d'entrée.

```
[number, number, ....]
```

Pseudo code

```
PROCEDURE checkSyntax(data: String): Boolean
  lines <- SEPARER PAR \n data
  POUR line DANS lines FAIRE
    SI line NE RESPECT PAS regex ALORS
       RENVOIE FAUX
    FIN SI
  FIN POUR
  RENVOIE VRAI
FIN
PROCEDURE importSeatsData(data: String): [{name: String, x: Number, y: Number}]
  SI checkSyntax(data) ALORS
    arr <- []
    lines <- SEPARER PAR \n data
    POUR line DANS lines FAIRE
       lineData <- line SEPARER PAR; line
       newSeat <- {
         name <- lineData[0]
         x <- lineData[1]
         y <- lineData[2]
       newSeat AJOUTER A arr
    FIN POUR
    RENVOIE arr
  FIN SI
  RENVOIE []
FIN
```

Exemple

Un exemple avec le string d'entrée :

thomas; 0; 0 mathis; 0; 75 flavien; 0; 150

Renvoie le tableau suivant :

[$\{name: " thomas ", x: 0, y: 0\}, \{name: " mathis ", x: 0, y: 75\}, \{name: " flavien ", x: 0, y: 150\}]$

Si dans cette configuration, le siège « mathis » serait sélectionné, le tableau de sortie serait :

[1]

(car dans le tableau de base, l'index 1 correspond au siège intitulé « mathis »).

III. Procedure for constructing an initial feasible solution

Explication

Pour cette procédure greedy, nous avons opté pour un algorithme semi-intelligent.

L'algorithme va regarder les précédentes places prises (et non toutes, au quel cas, l'algorithme ne serait pas du tout intelligent). Si pour toutes les places prises, la distance entre la place actuelle et les places prises est supérieure à la distance rentrée en paramètre, alors il place une nouvelle place prise.

Cet algorithme n'est pas optimisé et ne nous donne pas toujours les meilleurs résultats. Néanmoins, il reste très rapide.

Pseudo code

```
PROCEDURE isInRange(a: {name: String, x: Number, y: Number}, b: {name: String, x: Number, y:
Number}, d: Number): Boolean
  RENVOIE RACINE_CARRE(PUISSANCE(a.x - b.x, 2) + PUISSANCE(a.y - b.y, 2)) < d
FIN
PROCEDURE greedy(seats: [{name: String, x: Number, y: Number}, ...], distance: Number):
[Number]
  seatsTaken <- []
  POUR i ALLANT DE 0 A TAILLE(seats) FAIRE
    noSeatsTakenInRange <- VRAI
    POUR | DANS seatsTaken FAIRE
       SI isInRange(seats[i], seats[j], distance) ALORS
         noSeatsInRange <- FAUX
         SORTIR POUR
       FIN SI
    FIN POUR
    SI noSeatsTakenInRange ALORS
       i AJOUTER A seatsTaken
    FIN SI
  FIN POUR
  RENVOIE seatsTaken
FIN
PROCEDURE main(dataString: [{name: String, x: Number, y: Number}, ...], distance: Number):
{time: Number, result: [Number], numberOfOccupiedSeats: Number}
  formattedString <- importSeatsData(dataString)</pre>
  timeStart <- TEMPS_MAINTENANT
  result <- greedy(formattedString, distance)
  RENVOIE {
    time <- TEMPS MAINTENANT - timeStart
    result <- result
    numberOfOccupiedSeats <- TAILLE(result)
FIŃ
```

Résultat

- Les résultats sont, pour les données fournies :

 1m : 28 places

 1.2m : 27 places

 1.4m : 22 places

 1.6m : 16 places

 1.8m : 11 places

 2m : 10 places
- Avec moins 1ms par calcul.

IV. Procedure to verify if a solution is feasible or not

Explication

Pour vérifier si une solution est bonne, l'algorithme va regarder toutes les places prises et va s'assurer que la distance entre celles-ci est respectée.

Pseudo code

```
PROCEDURE isInRange(a: {name: String, x: Number, y: Number}, b: {name: String, x: Number, y:
Number), d: Number): Boolean
       RENVOIE RACINE CARRE(PUISSANCE(a.x - b.x, 2) + PUISSANCE(a.y - b.y, 2)) < d
FIN
PROCEDURE VERIFY(seats: [\{\)(name: String, x: Number\), ...], takenSeats: [\{\)(Number\)], takenSeats: [\{\)(name: String, x: Number\)], which is taken in the context of 
distance: Number): Boolean
        POUR i ALLANT DE 0 A TAILLE(takenSeats) - 1 FAIRE
               POUR j ALLANT DE i + 1 A TAILLE(takenSeats) FAIRE
                       SI isInRange(seats[takenSeats[i]], seats[takenSeats[j]], distance) ALORS
                              RENVOIE FAUX
                       FIN SI
               FIN POUR
       FIN POUR
       RENVOIE VRAI
FIN
PROCEDURE main(dataString: [{name: String, x: Number, y: Number}, ...], takenSeat: [Number],
distance: Number): {time: Number, result: [Number]}
       formattedString <- importSeatsData(dataString)
       timeStart <- TEMPS MAINTENANT
       result <- verify(formattedString, takenSeat, distance)
       RENVOIE {
               time <- TEMPS MAINTENANT - timeStart
               result <- result
FIN
```

Exemple

```
Un exemple avec le string d'entrée :
```

1;0;0 2;0;75 3;0;150

Et les places 1 et 3 sélectionnées, l'algorithme renvoie vrai.

V. Procedure to calculate the number of occupied seats in the solution

Explication

Pour calculer le nombre de place(s) occupée(s) dans la solution, notre manière de représenter nous avantage.

Il suffit de calculer la taille du tableau de sortie.

Pseudo code

PROCEDURE numberOfOccupiedSeats(array: [Number]): Number RENVOIE TAILLE(array)
FIN

Exemple

Si on a le tableau de sortie : [1, 4, 6, 7]

La réponse est 4.

VI. Local search procedures

Explication

Nous avons décidé de développer un algorithme LS Swap.

Cet algorithme est aléatoire donc les résultats peuvent varier, il reste celui qui trouve les meilleures solutions, le plus rapidement.

Dans la web app, l'algorithme a les paramètres suivants : maxTime=500, maxIteration=2000

L'algorithme boucle jusqu'à ce qu'il atteigne un temps maximum ou un nombre d'itérations maximum. Avant de boucler, l'algorithme va prendre une solution initiale, ici une solution de l'algorithme « greedy ».

Puis dans la boucle, il va choisir aléatoirement une place prise à enlever et une place à rajouter.

Lorsqu'il rajoute cette place, il va regarder si celle-ci est trop proche des autres places prises. Si une place est trop proche de la nouvelle place prise, l'algorithme supprime l'ancienne place prise.

Une fois cette vérification / suppression de place trop proche, l'algorithme va chercher pour une place qui aurait la possibilité d'être prise, si c'est le cas, elle sera prise.

On compare si cette nouvelle solution est meilleur que la précédente solution (par exemple, lors de la première itération, on compare au greedy). Et si celle-ci est meilleure, on l'a remplace et on continue de boucler.

Pseudo code

```
PROCEDURE isInRange(a: {name: String, x: Number, y: Number}, b: {name: String, x: Number, y:
Number). d: Number): Boolean
  RENVOIE RACINE CARRE(PUISSANCE(a.x - b.x, 2) + PUISSANCE(a.y - b.y, 2)) < d
FIN
PROCEDURE isSeatAvailable(seatsData: [{name: String, x: Number, y: Number}, ...], I: Number,
takenSeats: [Number], distance: Number): Boolean
  POUR CHAQUE takenSeat DANS takenSeats FAIRE
    SI isInRange(seatsData[i], seatsData[takenSeat], distance)
       RENVOIE FAUX
    FIN SI
  FIN POUR
  RENVOIE VRAI
FIN
PROCEDURE greedy(seats: [{name: String, x: Number, y: Number}, ...], distance: Number):
[Number]
  seatsTaken <- []
  POUR i ALLANT DE 0 A TAILLE(seats) FAIRE
    noSeatsTakenInRange <- VRAI
    POUR | DANS seatsTaken FAIRE
```

```
SI isInRange(seats[i], seats[j], distance) ALORS
         noSeatsInRange <- FAUX
         SORTIR POUR
       FIN SI
    FIN POUR
    SI noSeatsTakenInRange ALORS
       i AJOUTER A seatsTaken
    FIN SI
  FIN POUR
  RENVOIE seatsTaken
FIN
PROCEDURE swap(seatsData: [{name: String, x: Number, y: Number}, ...], seatsTaken: [Number],
distance: Number, index: Number, newPlaceTaken: Number): [Number]
  newSeatsTaken <- seatsTaken
  ENLEVER(newSeatsTaken, 0, 1)
  AJOUTER(newSeatsTaken, newPlaceTaken)
  POUR i ALLANT DE TAILLE(newSeatsTaken) FAIRE
    SI isInRange(seatsData[newSeatsTaken[i]],
seatsData[newSeatsTaken[TAILLE(newSeatsTaken) - 1]], distance) ALORS
       ENLEVER(newSeatsTaken, i, 1)
      i < -i - 1
    FIN SI
  FIN POUR
  POUR i ALLANT DE TAILLE(seatsData) FAIRE
    SI isSeatAvailable(seatsData, i, newSeatsTaken, distance) ALORS
       AJOUTER(newSeatsTaken, i)
    FIN SI
  FIN POUR
  RENVOIE TRIE(newSeatsTaken)
FIN
PROCEDURE local(seatsData: [{name: String, x: Number, y: Number}, ...], distance: Number,
maxIteration: Number, maxTime: Number): [Number]
  seatsTaken <- greedy(seatsData, distance)
  iteration <- 0
  startTime <-TEMPS_MAINTENANT
  TANT QUE (iteration <= maxIteration) && (TEMPS_MAINTENANT - startTime <= maxTime)
    indexToDelete <- PARTIE_ENTIERE(ALEATOIRE_0_1 * TAILLE(seatsTaken))
    newPlaceTaken <- TABLEAU(TAILLE(seatsData)).REMPLIR(CLE_TABLEAU()).FILTRER((val)
-> !INCLUE(seatsTaken, val))
                    [PARTIE ENTIERE(ALEATOIRE 0 1 * (TAILLE(seatsData) -
TAILLE(seatsTaken))]
    newSeatsTaken <- swap(seatsData, seatsTaken, distance, indexToDelete, newPlaceTaken)
    SI TAILLE(newSeatsTaken) > TAILLE(seatsTaken) ALORS
       seatsTaken <- newSeatsTaken
    FIN SI
    iteration <- iteration + 1
```

FIN TANT QUE

```
RENVOIE seatsTaken FIN
```

Résultat

Les résultats sont, pour les données fournis :

```
- 1m : 28 places - 467ms
- 1.2m : 27 places - 397ms
- 1.4m : 22 places - 315ms
- 1.6m : 16 places - 232ms
- 1.8m : 14 places - 194ms
- 2m : 12 places - 167ms
```

VII. Developing a metaheuristic algorithm

Explication

Nous avons décidé de faire un algorithme génétique pour l'algorithme métaheuristique.

Plus cet algorithme passera de temps à calculer, plus il sera fiable.

Dans la web app, cet algorithme est programmé pour 3 essais, une population de 200, et 10 générations.

L'algorithme commence par créer, pour chaque enfant de la population, une solution de base, entièrement aléatoirement. Une première place est choisie aléatoirement, puis l'algorithme va boucler tant qu'il y a moins de 3 éléments dans la solution ou qu'il n'a pas encore atteint triesMax (nombre d'essais maximum).

Lorsqu'il boucle, l'algorithme choisi de nouveau, une place aléatoirement. Si cette place peut être placée, la place est ajoutée. Par contre, si la place ne peut pas être placée, un essai est consommé.

Une fois sorti de cette boucle, on débute l'algorithme génétique.

La boucle des générations commence ici.

On commence par calculer les meilleurs membres de la population, ils seront retenus comme les parents.

Nous créons ensuite, une nouvelle population, qui se base à 75% sur les places en commun des parents.

Puis nous faisons de la mutation sur tous les membres de cette nouvelle population. La mutation consiste à supprimer entre 1 et 3 éléments de leurs solutions. Les chances sont:

- 100% -1 élément.
- 25% -2 éléments.
- 0.625% -3 éléments.

Une fois cette mutation appliquée, chaque membre de la population essaie d'ajouter le maximum de places possibles dans leurs solution.

Et la boucle des générations se termine ici.

On renvoie le meilleur des deux parents de la dernière génération.

Pseudo code

```
PROCEDURE isInRange(a: {name: String, x: Number, y: Number}, b: {name: String, x: Number, y: Number}, d: Number): Boolean
RENVOIE RACINE_CARRE(PUISSANCE(a.x - b.x, 2) + PUISSANCE(a.y - b.y, 2)) < d
FIN

PROCEDURE shuffleArray(array: []): []
POUR i ALLANT DE <- TAILLE(array) - 1 A 0 FAIRE
j <- PARTIE_ENTIERE(ALEATOIRE_0_1 * (i + 1))
[array[i], array[i]] <- [array[i], array[i]]
```

FIN POUR

```
PROCEDURE genetic(seatsData: [{name: String, x: Number, y: Number}, ...], distance: Number,
maxTries: Number, populationSize: Number, generationMax: Number): [Number]
  generation <- 0
  population <- []
  bestTwo <- [NULL, NULL]
  POUR i ALLANT DE 0 A populationSize FAIRE
    freePlaces <- TABLEAU(TAILLE(seatsData)).REMPLIR(CLE TABLEAU())
    shuffleArray(freePlaces)
    takenPlace <- [freePlaces[0]]
    ENLEVER(freePlaces, 0, 1)
    tries <- 0
    TANT QUE (tries < maxTries) || (TAILLE(takenPlace) < 3) FAIRE
       shuffleArray(freePlaces)
       randomPlace <- freePlace[0]
       inRange <- FAUX
       POUR j ALLANT DE 0 a TAILLE(takenPlace) FAIRE
         SI isInRange(seatsData[randomPlace], seatsData[takenPlace[i]], distance) ALORS
           inRange <- VRAI
           FIN POUR
         FIN SI
       FIN POUR
       SI inRange ALORS
         AJOUTER(takenPlace, randomPlace)
         ENLEVER(freePlaces, 0, 1)
       SINON
         tries <- tries + 1
       FIN SI
    FIN TANT QUE
    population[i] <- takenPlace
  FIN POUR
  TANT QUE generation < generationMax FAIRE
    POUR i ALLANT DE 0 A populationSize FAIRE
       POUR ¡ ALLANT DE 0 A 2 FAIRE
         SI !bestTwo[j] || TAILLE(population[i]) > TAILLE(bestTwo[j]) ALORS
           bestTwo[j] <- population[i]
           FIN POUR
         FIN SI
       FIN POUR
    FIN POUR
    commonPlacesOfParents <- TABLEAU(TAILLE(seatsData)).REMPLIR(CLE_TABLEAU())
                     .FILTER((val) => INCLUE(bestTwo[0], val) && INCLUE(bestTwo[1], val))
    POUR i ALLANT DE 0 A populationSize FAIRE
       shuffleArray(commonPlacesOfParents)
       population[i] <- PRENDRE(commonPlacesOfParents, 0,
PARTIE_ENTIERE((TAILLE(commonPlacesOfParents) - 1) * 0.75))
       ENLEVER(population[i], PARTIE_ENTIERE(ALEATOIRE_0_1() * (TAILLE(population[i]) - 1)), 1)
```

RENVOIE array

FIN

```
rna <- ALEATOIRE 0 10
       SI rng > 0.75 ALORS
         ENLEVER(population[i], PARTIE ENTIERE(ALEATOIRE 0 1() * (TAILLE(population[i]) - 1)),
1)
         SI rna > 0.975 ALORS
           ENLEVER(population[i], PARTIE_ENTIERE(ALEATOIRE_0_1() * (TAILLE(population[i]) -
1)), 1)
         FIN SI
       FIN SI
       firstCompute <- VRAI
       freePlaces <- II
       potentialFreeTakenPlaces <- []
       TANT QUE TAILLE(potentialFreeTakenPlaces) > 0 || firstCompute FAIRE
         SI firstCompute ALORS
           firstCompute <- FAUX
         SINON
            AJOUTER(population[i], potentialFreeTakenPlaces[0])
         FIN SI
         freePlaces <- TABLEAU(TAILLE(seatsData)).REMPLIR(CLE TABLEAU())
                       .FILTER((val) => !INCLUE(population[i], val))
         potentialFreeTakenPlaces <- []
         POUR | ALLANT DE 0 A TAILLE(freePlaces) FAIRE
           inRange <- FAUX
           POUR k ALLANT DE 0 A TAILLE(population[i]) FAIRE
              SI isInRange(seatsData[j], seatsData[population[i][k]], distance) ALORS
                inRange <- VRAI
                FIN POUR
              FIN SI
           FIN POUR
            SI !inRange ALORS
              AJOUTER(potentialFreeTakenPlaces, j)
           FIN SI
         FIN POUR
         shuffleArray(potentialFreeTakenPlaces)
       FIN TANT QUE
    FIN POUR
    generation <- generation + 1
  FIN TANT QUE
  RENVOIE bestTwo[0]
FIN
PROCEDURE main(dataString: [{name: String, x: Number, y: Number}, ...], distance: Number):
{time: Number, result: [Number], numberOfOccupiedSeats: Number}
  formattedString <- importSeatsData(dataString)
  timeStart <- TEMPS_MAINTENANT
  result <- genetic(formattedString, distance, 3, 200, 10)
  RENVOIE {
    time <- TEMPS_MAINTENANT - timeStart
    result <- result
```

```
numberOfOccupiedSeats <- TAILLE(result)
}
FIN</pre>
```

Résultat

Les résultats sont, pour les données fournis :

```
- 1m: 27-28 places - 4047ms

- 1.2m: 25-27 places - 3902ms

- 1.4m: 20-22 places - 2940ms

- 1.6m: 15-16 places - 1598ms

- 1.8m: 14 places - 1349ms

- 2m: 11-12 places - 1062ms
```

IIX. Rappel

Vous pouvez consulter la web app ici : https://msap-solver.vercel.app
Ou bien l'installer sur votre machine personnelle en suivant le README.md de ce GitHub : https://github.com/LesCop1/comp-heur

Les codes sources / pseudo codes sont disponibles sur la web app avec le bouton « Get code ».