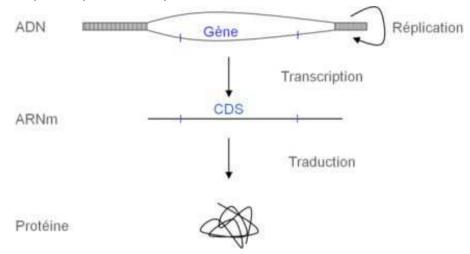
Le dogme central de la biologie

UE SV, Introduction à la biologie et à la bioinformatique

Les principales étapes

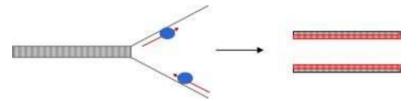


La réplication

- □ Duplication d'une double hélice pour en former deux
- Recopie stricte d'un brin d'ADN pour former le brin néosynthétisé par complémentarité des nucléotides
- □ Effectué par l'ADN polymérase
- □ Parfois des erreurs se glissent : c'est l'évolution
- Etape préliminaire à toute division cellulaire

La transcription

- Le message ADN (gène) est transcrit en message ARN (ARN messager, ARNm) par recopie stricte grâce à la complémentarité des nucléotides
- Effectué par l'ARN polymérase
- □ Choix des gènes exprimés et amplification du message



Début de la transcription : promoteur (2 séquences courtes (6-10 bp) avec erreurs reconnues par un complexe protéique qui permet la fixation de l'ARN pol ; précède de 25-30 bp le site d'initiation de la transcription (+1))
Fin de la transcription : terminateur (forme une épingle à cheveux qui bloque l'ARN polymérase)

L'épissage

- étape propre aux cellules eucaryotes
- La séquence sur le génome n'est pas entièrement présente dans l'ARNm mature
- L'ADN est transcrit entièrement en ARN pré-messager
- □ Puis, les introns sont enlevés (excisés) lors de l'épissage
- □ Enfin, la traduction est effectuée
- Possibilité d'épissage alternatif (ce ne sont pas toujours les même exons qui sont choisis pour être dans l'ARNm mature)

La traduction

- L'ARNm est traduit en protéine
- Basé sur le code génétique
- Correspondance entre un codon et son aa par les ARN de transfert (ARNt)
- Effectué par les ribosomes (complexes moléculaires composés de protéines et ARN ribosomiques -ARNr-)
- Début de la traduction : RBS (Ribosome Binding Site, aussi appelé Shine-Dalgarno)
- Séquence courte avec erreurs reconnue par les ribosomes (précède de environ 10 bp le codon d'initiation (ATG)
- ☐ Fin de la traduction : codons de terminaison

nonpolar polar have acidis culto codes

exon1

		2nd hone								
		U			c		A		G	
Tot touse		UUU	(Pheir) Printyldance	ucu	(SelfS) Same	UALI	(Tye'r) Fyroane	UCU	(Cys/C) Cyclene	
		UCC .	(Phof-) Phonylalanine	UCC	(Set/S) Serre	UAC	(lyerr) lyeases	UDC	(Cys/C) Cysteine	
	4	(ICA	final)Leatine	UCA	(Serfi) Saine	LIAA	Oran (Clours)	UBA	Strap (Oper)	
		uus	Anal)Leatine	UCG	(SeefS) Seeter.	LIAG	Stop (Anther)	uss	(TrpW) Tryphybar	
		CULT	Louis Loughe	COL	(Pro/P) Proline	CAL	(Had) Herifine	COU	(Arg/R) Argress	
		cuc	(Lou'L) Loucine	CCC	(Pio/P) Pidine	CAC	Plaint Hulder	090	(Aig/R) Augime	
		CUA	Louil) Loucine	ECA	(Pau/P) Pulling	CAA	(GlarQ) Glatarres	CBA	(Arg/R) Arginine	
		CUG	(Lout) Loucine	CCG	(Pio/P) Pidine	CAB	(GlaiQ) Glutanine	099	(Ang/R) Avyishe	
		AUU	(flef) federiche	ACU	(TMT) Threonine	AAU	(Asnti) Aspenger	AGU	(SerS) Serine	
		AUC	diel) ledeucne	AUC	(INFI) Threonire	AAL	(Astrilli Asperagree	AUG	(Serb) Serne	
	*	AUA	(fle/) fedeucine	AUA	(Thirt) Threonine	AAA	Lyski Lo-	AGA	(Algrit) Argnine	
		AUGIN	(Matrix) Matrixine	ACG	(ThriT) Thrannine	AAG	llys/k)tysiw	AGG	(Ang/R) Arginina	
		GUU	MakWy-Valine	GCI	(Ala/A) Atteins	GAU	(Aspitt) Asponic acid	GGU	(GlyrG) Gyorni	
	G	GUC	(Val/V) Valne	GCC	(Ala/A) Alanine	GAC	(Asp/I) Aspenic acid	GGC	iGly/G) Gycne	
	t.	GUA	(MWV) Valere	GCA	(Ala/A) Alarene	GAA	(Glaffe) Glammic and	GGA	(Gly(G) Glycom	
		GUG.	(MAN) Valine	GCG	(Abs/A) Allatine	GAG	(Glu/E) Glumnic and	GGG	(Gly/G) (Pycne	

introns

Epissage

lexon3exon4

ARN pré-messager

ARN messager

source : wikipedia.en

Les gènes

- Les gènes bactériens
 - □ Gènes courts (taille moyenne : 1 kb = 1000 bp)

- □ Gènes compacts : régions 5' et 3' UTR courtes (UnTranslated Region = non traduites)
- Nombreux gènes dans un génome (moy : 80 % du génome est impliqué dans des CDS)
- Les gènes
 eucaryotes

 Gènes très
 longs
 (plusieurs
 kb)
 - □ Gènes morcelés (présence d'introns = séquences perdues lors de l'épissage)
 - □ "Peu" de gènes dans les génomes (Homme : seul 3 % du génome est impliqué dans des gènes codant des protéines)

Site réalisé par Maude Pupin, mis à jour en spetembre 2011

