EIIIC	in WGCNA modules (FDR values)				
Module grey (3940 genes)	0.053	0.92	0.97	8.1e-11	
Module turquoise (3334 genes)	0.25	0.044	0.17	3.4e-56	- 2
Module blue (2532 genes)	0.5	0.75	1	1.2e-05	
Module brown (2253 genes)	0.053	0.75	1	1.7e-77	
Module yellow (1587 genes)	0.5	1	0.99	2.9e-09	
Module green (1568 genes)	0.19	0.84	1	1.9e-20	- 1
Module red (1260 genes)	1	0.75	0.95	0.00018	<u> </u>
Module black (1022 genes)	0.43	0.16	0.97	8.1e-23	ratio)
Module pink (793 genes)	0.5	0.028	1	8.5e-46	
Module magenta (679 genes)	1	0.16	1	2.6e-07	- 0 1 enrichment
Module purple (484 genes)	0.95	0.62	1	7.9e-06	Ĕ Ž
Module greenyellow (440 genes)	1	0.92	1	0.12	ch
Module tan (411 genes)	0.62	0.75	0.99	7.6e-07	1 ⊆
Module salmon (398 genes)	0.62	0.43	0.95	0.025	
Module cyan (375 genes)	1	0.75	0.99	1.2e-05	log2(
Module midnightblue (370 genes)	0.32	0.75	0.99	0.0081	
Module lightcyan (339 genes)	0.29	0.92	0.28	6.7e-13	2
Module grey60 (302 genes)	0.62	0.92	0.99	1.1e-09	_
Module lightgreen (227 genes)	0.5	0.054	1	6.7e-05	
Module lightyellow (226 genes)	0.17	0.75	1	0.00098	
Module royalblue (217 genes)	1	0.85	1	0.53	- -3
Module darkred (204 genes)	0.5	0.24	0.99	0.00022	
	GWAS	TWAS	SMR	DE	

Enrichment/depletion GWAS, TWAS, SMR, and DE genes