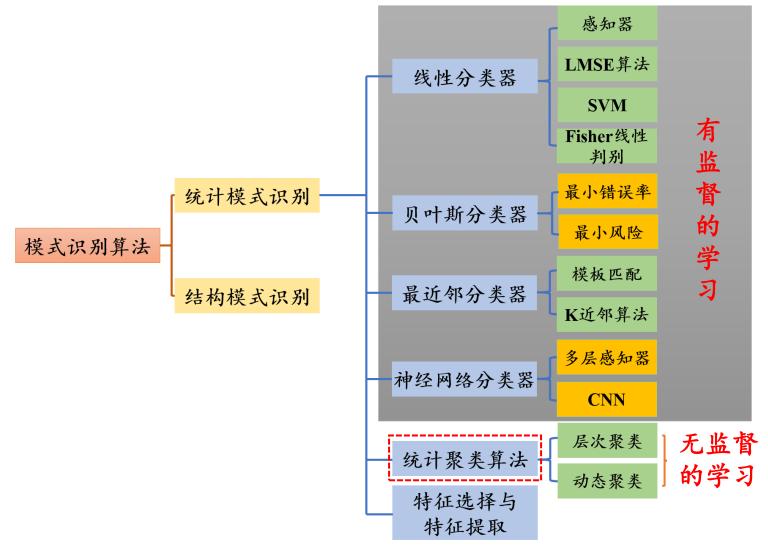
统计聚类算法 张俊超

中南大学航空航天学院



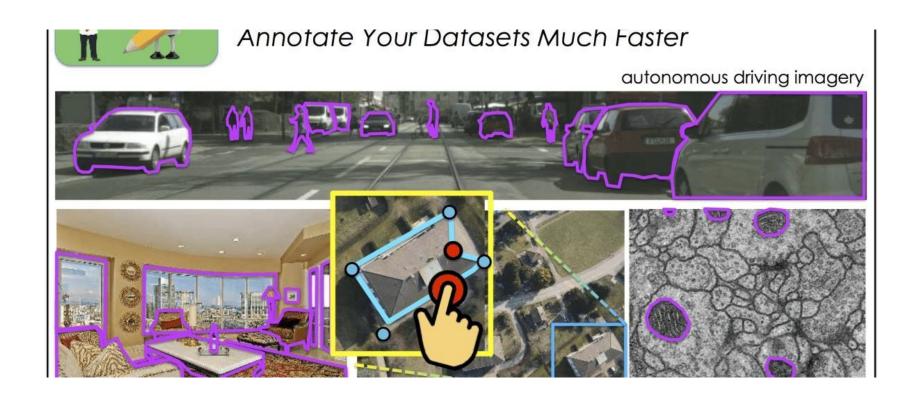




中南大学航空航天学院



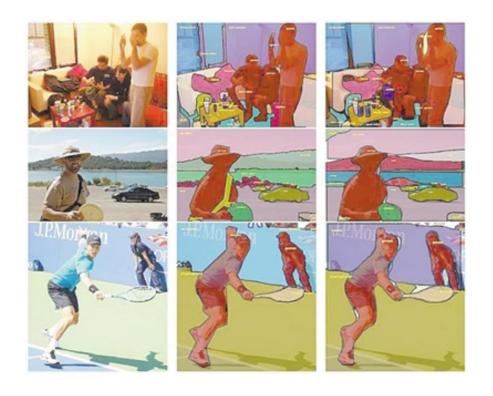
AI发展背后的基础力量





谷歌推出新方案, 图像标注速度提高三倍

2018-11-26 10:15:19 来源: 科技日报



核心思想:数据聚类

传统手动标记 (中列) 和流体标注 (右) 比较



什么是聚类?和分类有什么区别?





经常一起购买的商品



¥35.00 模式识别 (第三版)



机器学习 周志华

¥61.6



人工智能导论 李德毅于剑中国人工智



¥119 深度学习人工智能算 [美]IanGoodfellow(伊



¥85.2 模式识别 (第四版) (希腊)

7 万尖大水戏则

¥44.2



聚类的数学定义:聚类是指在模式空间 S 中,给定 N 个样本,<mark>按照样本间的相似程度</mark>,将 S 划分为 k 个决策区域 S_i (i = 1,2,...,k) 的过程。该过程使得各样本均能归入其中一个类,且不会同时属于两个类。即:

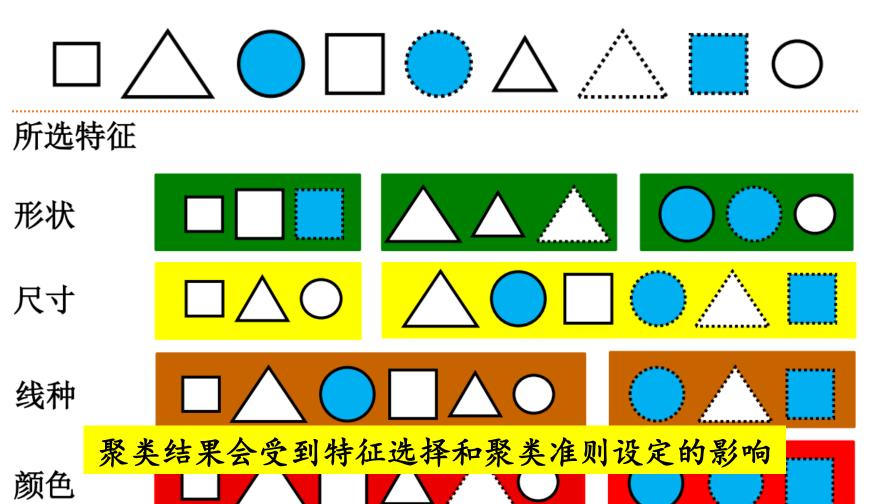
$$S_1 \cup S_2 \cup \dots \cup S_k = S, \exists S_i \cap S_j = \emptyset, i \neq j$$

根据定义,可以得出:

- 聚类是对整个样本集的划分, 而不是对单个样本的识别;
- 聚类的依据是: 样本间的相似程度;
- 聚类的结果是: 无遗漏、无重复的。(不考虑样本可以属于多个类别的"软聚类")

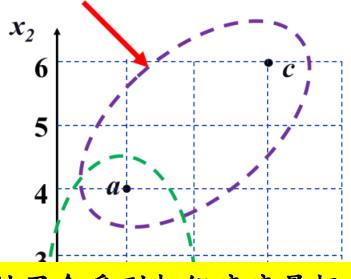
聚类有什么特点呢?



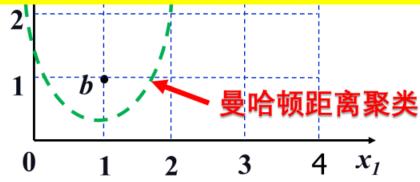




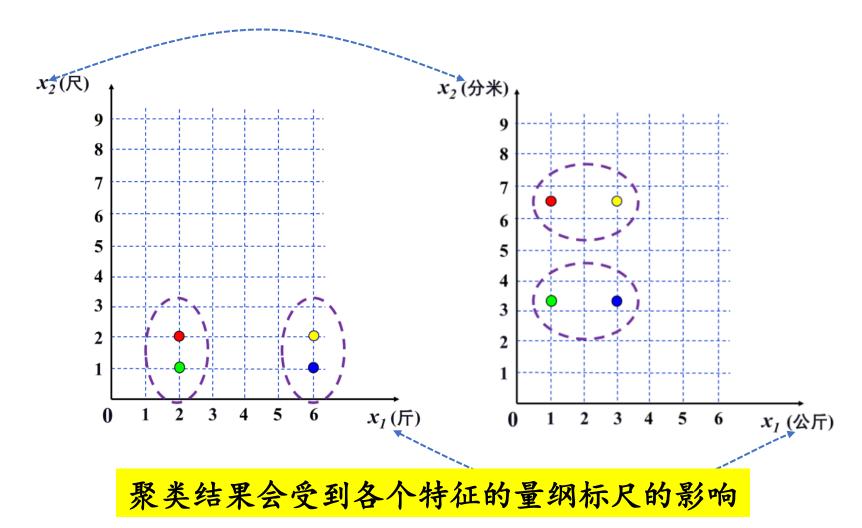




聚类结果会受到相似度度量标准的影响









聚类的特点:

- ▶ 聚类结果会受到特征选择和聚类准则设定的影响
- ▶ 聚类结果会受到<mark>相似度度量标准</mark>的影响
- ▶ 聚类结果会受到各个特征的量纲标尺的影响

如何消除量纲标尺带来的影响?

$$\overline{x} = \frac{x - x_{\text{mix}}}{x_{\text{max}} - x_{\text{min}}}$$

而在某些聚类任务中,某些特征确实应该具有比其他特征更大的权重, 所以进行归一化处理,反而会造成聚类结果变差。 **归一化不是必做的** 操作。

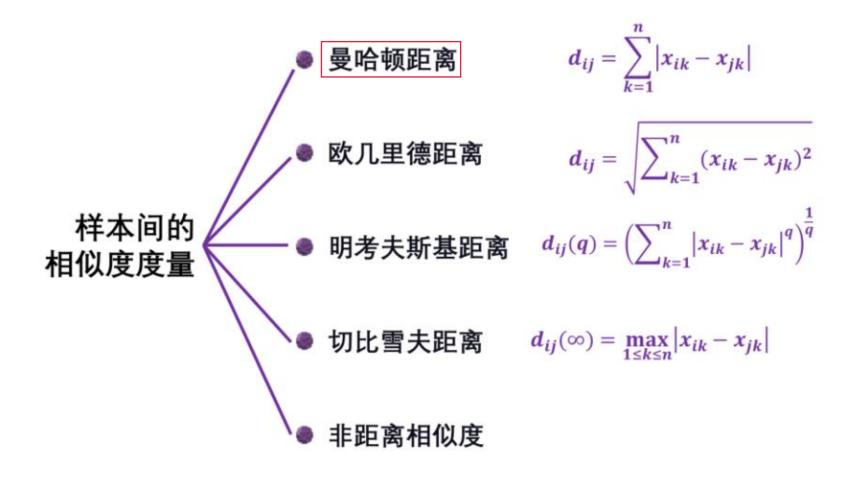


聚类的一般流程:





• 2. 确定相似度度量







$$D_{h,k} = \min\{D(x_i, y_j)\}, x_i \in \mathcal{L}_h, y_j \in \mathcal{L}_k$$

▶ 最长距离: 两类中相距最远的两样本间的距离

$$D_{h,k} = \max\{D(x_i, y_j)\}, x_i \in \mathcal{L}_h, y_j \in \mathcal{L}_k$$

重心距离:两类的均值点(重心)间的距离

$$D_{h,k} = D_{m_i,m_j}, m_i$$
为类h的重心, m_j 为类k的重心

▶ 类平均距离:两类中各个元素两两之间的距离相加后取平均值 1 、 □

$$D_{h,k} = \frac{1}{n_h n_k} \sum_{\substack{u \in h \\ m \in k}} d_{um}$$

类别间的 相似度度量



• 3. 设定聚类准则

判定哪些样本应该聚为同一类。

① 误差平方和准则函数

$$J_e = \sum_{i=1}^c \sum_{k=1}^{n_i} \left\| \mathbf{x}_k^{(i)} - \mathbf{m}_i \right\|^2$$
 最小化

 n_i :类别 ω_i 的样本总数

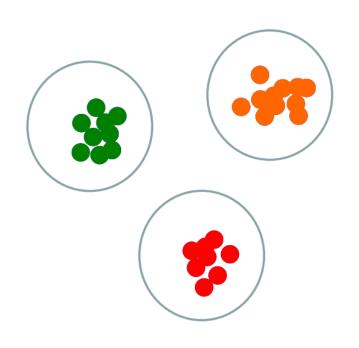
 $\mathbf{x}_{k}^{(i)}$:类别 ω_{i} 的第k个样本

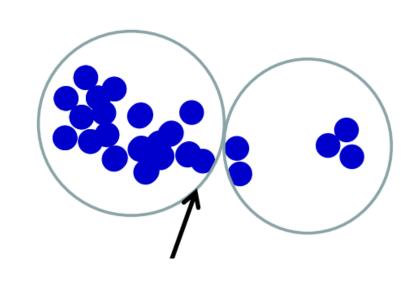
 \mathbf{m}_i : 类别 ω_i 的样本均值, $\mathbf{m}_i = \frac{1}{n_i} \sum_{k=1}^{n_i} \mathbf{x}_k^{(i)}$



【误差平方和准则函数】适用范围:

- 1. 同类样本分布相对密集;
- 2. 各类别所包含样本数相差不大、类间距离较大。







② 离散度准则函数

类内离散度矩阵:
$$\mathbf{S}_i = \frac{1}{n_i} \sum_{k=1}^{n_i} (\mathbf{x}_k^{(i)} - \mathbf{m}_i) (\mathbf{x}_k^{(i)} - \mathbf{m}_i)^T$$

1. 总的类内离散度矩阵: $\mathbf{S}_{w} = \sum_{i=1}^{c} P_{i} \mathbf{S}_{i}$ $P_{i} = n_{i}/n$

m是所有样本的均值

2. 类间离散度矩阵:
$$\mathbf{S}_b = \sum_{i=1}^c P_i (\mathbf{m}_i - \mathbf{m}) (\mathbf{m}_i - \mathbf{m})^T$$

3. 总的离散度矩阵:
$$\mathbf{S}_{t} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{c} \sum_{k=1}^{n_{i}} (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}) (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m})^{T}$$
,其中 $n = \sum_{i=1}^{c} n_{i}$

三者之间有什么关系呢?



$$\mathbf{S}_{t} = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{c} \sum_{k=1}^{n_{i}} (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}) (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m})^{T}$$

$$= \sum_{i=1}^{c} \frac{n_{i}}{n} \frac{1}{n_{i}} \sum_{k=1}^{n_{i}} (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}) (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m})^{T}$$

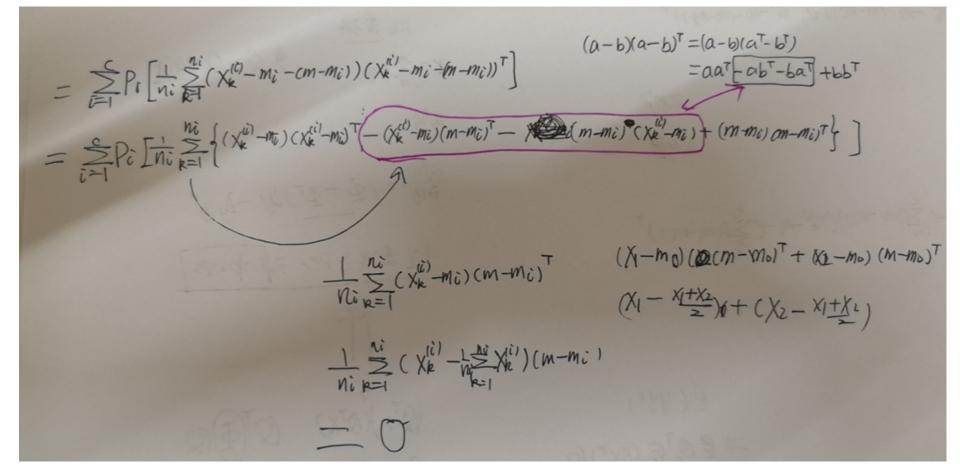
$$= \sum_{i=1}^{c} P_{i} \left[\frac{1}{n_{i}} \sum_{k=1}^{n_{i}} (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}) (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m})^{T} \right]$$

$$= \sum_{i=1}^{c} P_{i} \left[\frac{1}{n_{i}} \sum_{k=1}^{n_{i}} (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i} - (\mathbf{m} - \mathbf{m}_{i})) (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i} - (\mathbf{m} - \mathbf{m}_{i}))^{T} \right]$$

$$= \sum_{i=1}^{c} P_{i} \left[\frac{1}{n_{i}} \sum_{k=1}^{n_{i}} (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i}) (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i})^{T} + (\mathbf{m} - \mathbf{m}_{i}) (\mathbf{m} - \mathbf{m}_{i})^{T} \right]$$

$$= \sum_{i=1}^{c} P_{i} \left[\frac{1}{n_{i}} \sum_{k=1}^{n_{i}} (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i}) (\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i})^{T} \right] + \sum_{i=1}^{c} P_{i} (\mathbf{m} - \mathbf{m}_{i}) (\mathbf{m} - \mathbf{m}_{i})^{T}$$

$$= \sum_{i=1}^{c} P_{i} \mathbf{S}_{i} + \mathbf{S}_{b} = \mathbf{S}_{w} + \mathbf{S}_{b}$$





三个离散度矩阵之间的关系

仅和样本全体的分布有关, 而和聚类结果无关。 此消彼长 相互依存 相互制约

$$\mathbf{S}_{t} = \mathbf{S}_{w} + \mathbf{S}_{b}$$

与聚类结果直接关联 两者的总和保持不变 不便直接进行评估



离散度准则函数: 基干迹的准则函数

$$\mathbf{S}_{i} = \frac{1}{n_{i}} \sum_{k=1}^{n_{i}} \left(\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i} \right) \left(\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i} \right)^{T} = \frac{1}{n_{i}} \sum_{k=1}^{n_{i}} \mathbf{A}_{i}$$

$$\diamondsuit \left(\mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i}\right)^{T} = \begin{bmatrix} a_{i1} & a_{i2} & \cdots & a_{id} \end{bmatrix}$$

$$\mathbf{A}_{i} = \begin{bmatrix} a_{i1} \\ a_{i2} \\ \vdots \\ a_{id} \end{bmatrix} \begin{bmatrix} a_{i1} & a_{i2} & \cdots & a_{id} \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} a_{i1}^{2} & a_{i1}a_{i2} & \cdots & a_{i1}a_{id} \\ a_{i2}a_{i1} & a_{i2}^{2} & \cdots & a_{i2}a_{id} \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ a_{id}a_{i1} & a_{id}a_{i2} & \cdots & a_{id}^{2} \end{bmatrix}$$

$$tr(\mathbf{A}_i) = \sum_{i=1}^d a_{id}^2 = \left\| \mathbf{x}_k^{(i)} - \mathbf{m}_i \right\|^2$$

$$tr(\mathbf{A}_{i}) = \sum_{i=1}^{d} a_{id}^{2} = \left\| \mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i} \right\|^{2}$$

$$tr(\mathbf{S}_{i}) = \frac{1}{n_{i}} \sum_{k=1}^{n_{i}} tr(\mathbf{A}_{i}) = \frac{1}{n_{i}} \sum_{k=1}^{n_{i}} \left\| \mathbf{x}_{k}^{(i)} - \mathbf{m}_{i} \right\|^{2}$$



 $tr(S_i)$: 其值越小,类内样本聚集程度越高

 $tr(S_w)$: 其值反映了同类样本的聚集程度 \rightarrow 加权的误差平方和准则函数

 $tr(\mathbf{S}_b)$: 其值反映了不同类样本的分离程度

准则函数:

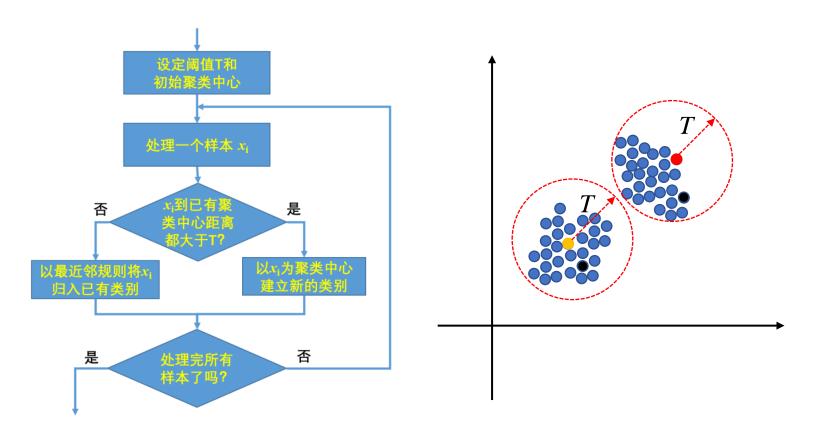
 $J = tr(\mathbf{S}_{w})$: 最小化

 $J = tr(\mathbf{S}_b)$: 最大化

 $J = tr(\mathbf{S}_{w}^{-1}\mathbf{S}_{b})$: 最大化



- 4. 选择聚类算法
- ① 试探法聚类(基于最近邻规则的试探聚类算法)



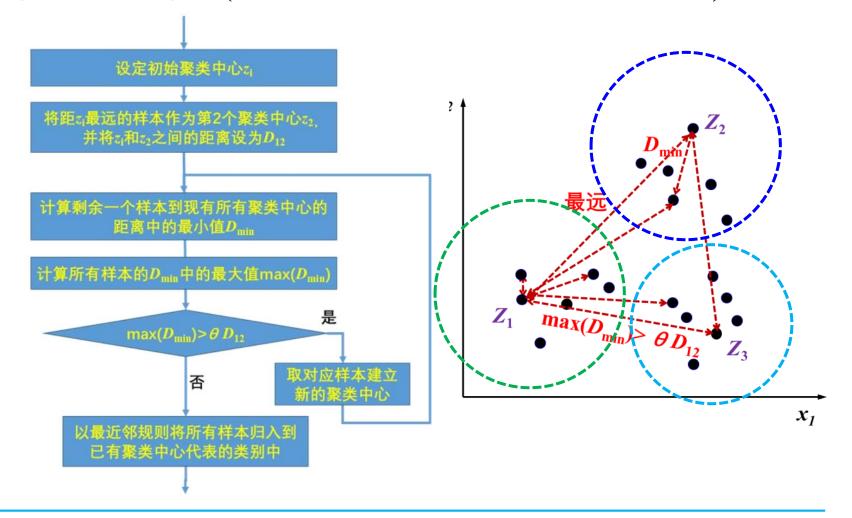


基于最近邻规则的试探聚类算法【特点】

- ▶聚类结果中所有类内的样本距聚类中心的距离都在以 *T* 为半径的范围内。
- ▶分类结果受第一个聚类中心的选择、待分类模式样本的 排列顺序和阈值T的大小的影响。
- ▶一个样本一旦划归到某一类中之后,就无法再剔除或调整。



① 试探法聚类(基于最大最小距离的试探聚类算法)





%%

```
% 生成数据
randn('seed', 2020);
mu1 = [2 \ 3]:
sigma1 = [0.2 0;
         0 0.2];
data1 = mvnrnd(mu1, sigma1, 300);
randn('seed', 2021);
mu2 = [4 5];
sigma2 = [0.2 0]
         0 0.2];
data2 = mvnrnd(mu2, sigma2, 300);
Data = [data1;data2];
N = size(Data, 1);
List = randperm(N);
Data = Data(List,:);
```



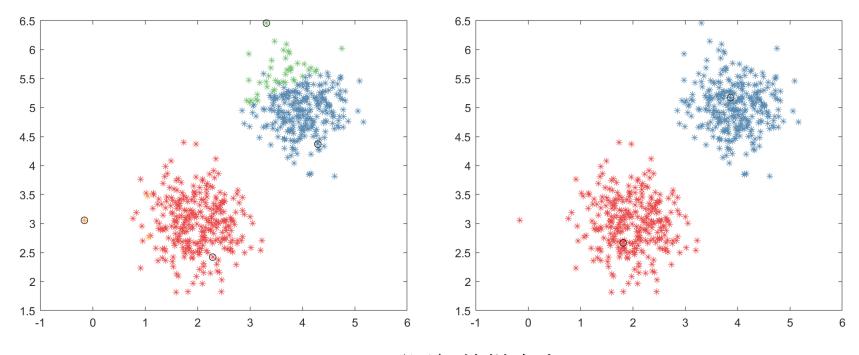
%% 试探聚类算法

% 基于最近邻规则的试探聚类算法 T = 5: Labels = zeros(N, 1); start L = randperm(N); start = start L(1); $Z = \begin{bmatrix} 1 \\ 1 \end{bmatrix}$: Z sub = []; % 保存中心点对应的位置 Z = [Z:Data(start,:)]: %保存中心点 $Z_{sub} = [Z_{sub}; start];$ label = 1: Labels(start) = label;



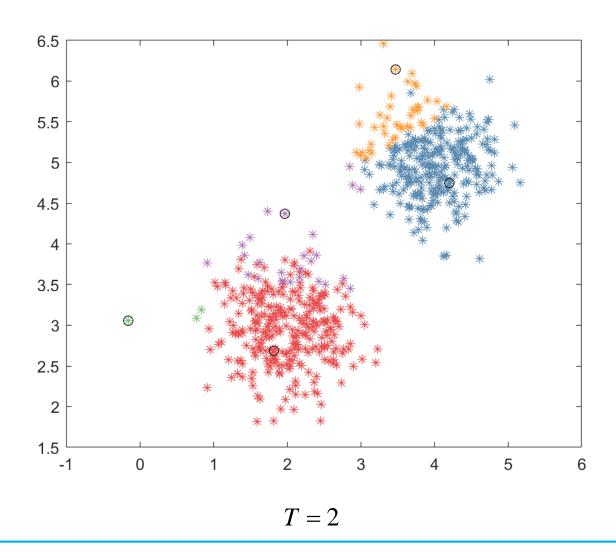
```
\Box for i = 1:N
      dist = Z - repmat(Data(i, :), [size(Z, 1), 1]);
      dist = sum(dist.^2, 2);
      [minv, idx] = min(dist);
      if minv>T
           Z = [Z; Data(i, :)];
           Z \text{ sub} = [Z \text{ sub}; i];
           label = label + 1:
           Labels(i) = label:
      else
           tmp = Z_sub(idx);
           Labels(i) = Labels(tmp);
      end
 end
```





T=5,不同初始样本点







【作业】编程实现基于最大最小距离的聚类算法。说明:

- 1.数据可以自己生成(也可以用提供的)
- 2.编程语言: Matlab/Python
- 3. 提交实验报告和源代码(命名规则:聚类_学号_姓名)
- 4. 作业迟交n天,本次作业分数乘以0.98n。







