פרויקט גמר חמש יחידות לימוד- למידת מכונה Deep Learning



נושא הפרויקט:

זיהוי סרטן השד לפי תמונות היסטופתולוגיה

Breast cancer detection with histopathology images

שם בית ספר: מקיף י'א ראשונים

שם התלמיד: ליהי שפיר

תעודת זהות: 214398927

שם המנחה: דינה קראוס

תאריך הגשה: 16/6/2022





תוכן מבוא מבנה/ ארכיטקטורה של הפרויקט שלב איסוף הכנה וניתוח הנתונים (data analyze and prepare, Collect): 6.....: (Build and train deep learning model) שלב בנייה ואימון המודל מושגים נוספים חשובים: של המחלקות:UMLתיאור תהליך האימון: דוחות וגרפים המתארים את תוצאות שלב האימון: דוח הכולל ריכוז כל ה- Hyper Parameters:..... לשיפור תוצאות האימון:Hyper parameterתיעוד השינויים שנעשו במודל+ פונקציית השגיאה: ייעול ההתכנסות (optimization) שלב היישום (Software deployment): תיאור והסבר כיצד היישום משתמש במודל: טכנולוגיית Tkinter:......Tkinter: תרשים UML של המחלקות שמממשות את ממשק המשתמש: מדריך למפתחמדריך למפתח הקבצים בפרויקט: 24.....: project_main הקובץ 24.....: class Datahandler המחלקה 28.....: class NN המחלקה Tkinter Lihi המחלקה: מדריך למשתמשמדריך למשתמש הקבצים שנדרשים לפרויקט: היררכיית המסכים: רפלקציהרפלקציה ביבליוגרפיה נספחים

מבוא

השנה נושא ההתמחות שלמדנו בבית הספר הינו Deep Learning- זוהי מחלקה של שיטות למידת מכונה המבוססות על רשתות עצביות מלאכותיות שמאפשרת למידת ייצוגים. הלמידה עצמה יכולה להיות מונחית, מונחית למחצה או ללא הנחיה.

הלמידה העמוקה נעשית באמצעות Deep Learning, שזהו סוג של Machine learning, למידת מכונה. למידת מכונה. למידת מכונה. למידת מכונה. למידת מכונה (אפליקציות, מערכות, מחשבים וכד׳) לנתח תהליכי לימוד כך שיהיו דומים ככל האפשר ליכולות החשיבה והניתוח של מוח אנושי.

מוח האדם בנוי מרשת נוירונים בהם נקלט המידע. שיתוף הפעולה בין אלפי הנוירונים המורכב מפעולה קטנה של כל אחד מהם, מאפשר למוח לעשות פעולה גדולה ומורכבת. ובעזרת התקשורת שבין כל תא עצב לאילו שבקרבתו נוצרת היכולת ללמוד דברים חדשים גם בהתבסס על מידע קיים ולזכור את מה שלמדנו. על רעיון זה מתבססים הפרויקטים בהתמחות זו בכלל וכן הפרויקט שלי בפרט. רשת נוירונים של "למידה עמוקה" עובדת באופן דומה, שכן היא מורכבת ממשקלים ונוירונים שכל אחד מהם מבצע פעולה מתמטית פשוטה, ובסופו של דבר התוכנה מסוגלת ללמוד באופן דומה למוח האנושי. למשל בפרויקט שלי יש שימוש ברשת קונבולוציה (באנגלית: CNN – Convolutional Neural Network) היא סוג של רשת נוירונים המשתמשת בפעולת הקונבלוציה במקום בכפל מטריצות כללי לפחות באחת מהשכבות שלה. סוג זה של רשת נוירונים משמש בעיקר לעיבוד תמונה וראיה ממוחשבת, אך יש לו שימושים גם במערכות המלצה, עיבוד שפה טבעית וממשק מוח-מחשב.

בפרויקט שלי עסקתי בנושא למידת מכונה (באנגלית: Machine Learning). זהו תת-תחום במדעי המחשב ובבינה מלאכותית המשיק לתחומי הסטטיסטיקה והאופטימיזציה. התחום עוסק בפיתוח אלגוריתמים המיועדים לאפשר למחשב ללמוד מתוך דוגמאות, ופועל במגוון משימות חישוביות בהן התכנות הקלאסי אינו אפשרי.

בפרויקט זה בחרתי לבנות תוכנה שמטרתה לזהות את סרטן השד באמצעות תמונות היכן יש והיכן היסטופתולוגיות. המודל שבניתי לומד באמצעות תמונות מסווגות כיצד לזהות היכן יש והיכן אין סרטן, הפרויקט מתבסס על למידה מונחית (supervised learning). כל דוגמה מגיעה עם תווית סיווג. מטרת האלגוריתם היא לחזות את הסיווג של דוגמאות חדשות שאותן לא פגש בתהליך הלמידה. אימון של רשת עצבית מלאכותית ("רשת נוירונים") מסתמך על אלגוריתמים מסוג זה.

בחרתי בנושא זה משלל הנושאים שהיו פתוחים בפני משום שנושא זה עורר את סקרנותי וגרם לי לרצות לדעת עוד על המקור שלו ואופן טיפולו.

סרטן השד הוא הסרטן הנפוץ בנשים בישראל ובעולם – אחת מכל 8 צפויה לחלות בו במהלך חייה. סרטן השד הוא גידול ממאיר שמקורו ברקמת השד. זהו הגידול הממאיר השכיח ביותר בקרב נשים. ישנם כמה סוגים של סרטן שד, אולם בכל הסוגים ישנה חשיבות מכרעת לאבחון מוקדם, שכן אבחון זה יכול להציל חיים.

קהל היעד שהפרויקט שלי פונה אליו הוא נשים וגברים כאחד, אם כי סרטן השד נפוץ פי 100 בקרב נשים מאשר בקרב גברים. בנוסף, הפרויקט שלי פונה לכל שכבת גיל- על פי נתוני משרד הבריאות, כ- 74% מהחולות בסרטן השד מאובחנות בגילאי 50 ומעלה, כ- 23% מהחולות מאובחנות בגיל 40-49, ורק כ- 3% מהחולות היו בנות פחות מ- 40 שנה בעת האבחון. מחלה קודמת - נשים שחלו בסרטן השד והבריאו, נמצאות בקבוצת הסיכון הגבוהה ביותר לחלות בסרטן שד בצד השני. בנוסף, הגיל הוא גורם סיכון חשוב בהתפתחות סרטן

שד אצל גברים. רוב המקרים מאובחנים בגילאים 60 עד 80 כאשר הגיל הממוצע הוא 65. רמת הסיכון עולה עם התקדמות הגיל.

לפני שניגשתי להתחלת הפרוקיט קראתי על המצב בשוק היום והבנתי שכדי לאבחן את סרטן השד יש צורך בכמה שלבים שגרתיים.

בדיקות שיגרה לגילוי מוקדם מצילות חיים:

- בדיקת רופא/ה מומחה פעם בשנה מומלץ להיבדק על-ידי רופא/ה המתמחה
 בבדיקת שד ידנית (כירורג/ית שד).
- בדיקת ממוגרפיה בדיקה זו עשויה להציל את חייך ואת שדייך! זוהי ללא ספק הבדיקה החשובה ביותר מבין כל הבדיקות המומלצות.
 הבדיקה מומלצת לביצוע אחת לשנה, לכל אישה מעל גיל 50, שלא נמצאת בקבוצת סיכון. בדיקת ממוגרפיה היא בדיקת רנטגן פשוטה בעוצמה נמוכה, האורכת מספר דקות, ומטרתה לגלות סרטן שד בשלב מוקדם, בו יש שינויים ממאירים התחלתיים.
 אמינות הבדיקה היא למעלה מ-90%, בהתאם לגיל הנבדקת.
 - בדיקת אולטרה סאונד (U.S.) -כהשלמה לממוגרפיה סריקה על-קולית של השד אינה הכרחית, אולם היא מהווה בדיקה משלימה לבדיקת הממוגרפיה. בדיקה מתאימה בעיקר לנשים צעירות, או לנשים שהיה קושי בפענוח בדיקת הממוגרפיה שלהן.
- בדיקת הדמיה של השד באמצעות תהודה מגנטית (MRI) הבדיקה מומלצת לנשים צעירות נשאיות של הגנים BRCA1 ו -BRCA2, לנשים בעלות שד דחוס, לנשים עם סיפור סרטן שד משפחתי, או לפי השתייכות לקבוצות הסיכון למחלה.

לעומת הבדיקות השגרתיות המוצגות לעיל, הפרויקט שלי מציע דרך חדשנית שתייעל את תהליך הבדיקה ותחסוך זמן יקר הן לרופאים והן למטופלים. במקום לבוא לבדיקה שגרתית אצל הרופא המטפל, המטופל יוכל לעבור מספר סריקות(תמונות היסטוגרפיות) שישלחו לבדיקה מיידית ותוך זמן קצר המטופל יקבל תשובה לגבי המשך טיפולו ואם בכלל יש צורך.

האתגרים המרכזיים שהיוו קושי גדול מבחינתי היו חוסר הוודאות בהכנת הפרויקט, במהלך כתיבת הפרויקט הוחלפו לנו מספר מורים דבר אשר היווה קושי גדול בלימוד החומר והבנתו. בעיה זאת הובילה אותנו לתהליך של לימוד עצמי ובקשת עזרה מחברי לכיתה, ניסינו יחדיו להתגבר על קשיים במהלך הדרך ולהבין את החומר הנלמד בצורה הנוובה ביותר

קושי נוסף שאירע במהלך הכנת הפרויקט הוא קריאת החומר ולימודו, מכיוון שנושא זה נחשב די חדש בתחום התכנות והמחשבים רוב החומר עליו כתוב באנגלית, ולכן בנוסף ללימוד העצמי היה צורך גם בהבנת המאמרים והחומר שאנחנו קוראים באנגלית דבר אשר העשיר את אוצר המילים שלנו ולימד אותנו למצוא ולהתמודד עם חומר חדש בצורה טובה יותר ומהירה יותר.

מבנה/ ארכיטקטורה של הפרויקט

שלב איסוף הכנה וניתוח הנתונים (data analyze and prepare, Collect):
ראשית חיפשתי מאגרי נתונים שיכילו מספיק תמונות כדי שהפרויקט יעבוד בצורה היעילה
ביותר. לאחר חיפושים מצאתי באתר קאגל (Kaggle) מאגר נתונים של תמונות
היסטוגרפיות בהן 198,738 (מתויגות כ- 0) תמונות אינן עם סרטן השד ו- 78,786 (מתויגות כ- 1) עם סרטן השד, זאת אומרת שסך הכל יש לי 277,524 תמונות בגודל [50,50,3].
מאגר הנתונים הזה יוצר ממאגר נתונים מקורי שכלל 162 תמונות שקופיות שלמות של דגימות סרטן השד שנסרקו ומשם חולצו 277,524 תמונות בגודל [50,50,3].

בנוסף, מאגר התמונות בנוי מהרבה נתיבים של תעודות זהות כאשר בכל נתיב כזה יש לי שתי תיקיות 0,1 שמכילות מספר תמונות עם סרטן ובלי סרטן.

." 10253idx5x1351y1101class0.png "לכל תמונה יש נתיב תמונה שנראה כך

. מציין מספר זהות של בן אדם - 10253idx5

-x1351 מציין מיקום ציר x של איפה שהתמונה נלקחה.

-y1101 מציין מיקום ציר y של איפה שהתמונה נלקחה.

מציין שאין סרטן. – class0

מציין שיש סרטן. – class1

לאחר שהבנתי כיצד נראה מבנה הנתונים והמידע בתוכו הייתי צריכה להכין את המידע לאימון. לשם כך הייתי צריכה לבדוק את תקינות המידע, את תקינות התמונות ואת גודל התמונות. ראשית הייתי צריכה להוריד את קובץ הזיפ שהכיל את מאגר התמונות ולחלץ משם את כל התמונות- פעולה שנקראת extract_data עושה זאת. לאחר מכן, בדקתי את תקינות התמונות באמצעות עוד פעולה שמוחקת את התמונות הפגומות- היא שולחת לפעולה שבודקת את תקינות התמונה (255) , לפעולה שבודקת את התמונה בגודל המתאים [50,50,3], אם אחת מבדיקות אלו החזירה אמת הפעולה מדפיסה את הטעות, מדפיסה את נתיב התמונה, ומוחקת אותה.

לאחר שסיימנו את הבדיקות של תקינות התמונה אנו עוברים לפיצול מאגר הנתונים ל test, validation. כדי שהפרויקט יעבוד בצורה הטובה ביותר ולא יביא לנו תוצאות שגויות נרצה שהפרויקט יתאמן על אותו מספר תמונות בהן קיים סרטן לעומת שלא קיים סרטן, ולכן לפני הפיצול אנחנו בונים שני מערכים של 0= אין סרטן ו- 1=יש סרטן שיכילו אותו מספר לפני הפיצול אנחנו בונים שני המערכים עם אותו מספר התמונות נרצה לפצל את מאגר תמונות. לאחר שיש לנו את שני המערכים עם אותו מספר התמונות נרצה לפצל את מאגר התמונות כאשר התמונות לrain יהוו 0.7 מכלל התמונות, התמונות לtest יהוו 0.1 מכלל התמונות.

החילוק יתבצע בשלוש תיקיות חדשות שיכילו את התמונות שנרצה שהפרויקט יעבוד איתן.

לפני אימון המודל יש צורך להוריד את התמונות לאימון וזה נעשה בפעולה נפרדת אשר מורידה את התמונות ומנרמלת אותן (פיקסלים) מתחום של [0,255] לתחום של [0,1]. נרמול זה מאפשר למודל שלנו להגיע למשקלים טובים יותר ובסופו של דבר לתוצאות ומודל מדויק יותר.

<u>: (Build and train deep learning model) שלב בנייה ואימון המודל</u>

תיאור גרפי של המודל עלי בוצע האימון:

```
139 def load_default_model(self) -> None :
140
141
        the default model if the user does not want to use
       the pretrained model
142
143
144
145
146
        self.model = Sequential()
147
       self.model.add(Conv2D(32, (3, 3), padding = 'same', activation = 'relu',
148
                              input_shape = (50, 50, 3)))
        self.model.add(BatchNormalization())
149
150
       self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(3, 3)))
        self.model.add(Dropout(0.25))
151
        self.model.add(Conv2D(16, (3, 3), padding="same", activation="relu"))
152
153
       self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(2, 2)))
154
        self.model.add(Conv2D(16, (3, 3), padding="same", activation="relu"))
155
156
        self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(2, 2)))
157
        self.model.add(Conv2D(32, (3, 3), padding="same", activation="relu"))
158
159
        self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(2, 2)))
160
       self.model.add(Flatten())
161
162
        self.model.add(Dense(2, activation='softmax'))
        adam = keras.optimizers.Adam(learning_rate=0.0001)
163
164
        self.model.compile(loss='binary_crossentropy', optimizer=adam, metrics=['accuracy'])
165
       self.model.summary()
```

Layer (type)	Output Shape	Param #
conv2d (Conv2D)		
<pre>batch_normalization (BatchN ormalization)</pre>	(None, 50, 50, 32)	128
<pre>max_pooling2d (MaxPooling2D)</pre>	(None, 16, 16, 32)	0
dropout (Dropout)	(None, 16, 16, 32)	0
conv2d_1 (Conv2D)	(None, 16, 16, 16)	4624
<pre>max_pooling2d_1 (MaxPooling 2D)</pre>	(None, 8, 8, 16)	0
conv2d_2 (Conv2D)	(None, 8, 8, 16)	2320
<pre>max_pooling2d_2 (MaxPooling 2D)</pre>	(None, 4, 4, 16)	0
conv2d_3 (Conv2D)	(None, 4, 4, 32)	4640
<pre>max_pooling2d_3 (MaxPooling 2D)</pre>	(None, 2, 2, 32)	0
flatten (Flatten)	(None, 128)	0
dense (Dense)	(None, 2)	258

הסבר על סוגי השכבות השונים ברשת:

?מהי בעצם רשת נוירונים

רשת נוירונים היא מודל מתמטי חישובי, שפותח בהשראת תהליכים מוחיים או קוגניטיביים המתרחשים ברשת עצבית טבעית ומשמש במסגרת למידת מכונה. רשת מסוג זה מכילה בדרך כלל מספר רב של יחידות מידע (קלט ופלט) המקושרות זו לזו, קשרים שלעיתים קרובות עוברים דרך יחידות מידע "חבויות". צורת הקישור בין היחידות, המכילה מידע על חוזק הקשר, מדמה את אופן חיבור הנוירונים במוח. השימוש ברשתות עצביות מלאכותיות נפוץ בעיקר במדעים קוגניטיביים, ובמערכות תוכנה שונות - בהן: מערכות רבות של אינטליגנציה מלאכותית המבצעות משימות מגוונות - זיהוי תווים, זיהוי פנים, זיהוי כתב יד, חיזוי שוק ההון, מערכת זיהוי דיבור, זיהוי תמונה, ניתוח טקסט וכ'ו.

רשת נוירונים מאופיינת על ידי:

חיבורים - אופן החיבור בין הנוירונים ברשת.

משקלים - השיטה הקובעת את משקלי החיבורים בין הנוירונים.

פונקציית האקטיבציה, העשויה להיות שונה בכל שכבה (פונקציה לא ליניארית, לרוב logsig או sigmoid, relu).

ברשת ישנם שלושה סוגי שכבות:

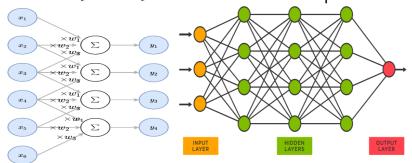
שכבת כניסה (Input Layer) - לכל תא בשכבה זו כניסה אחת. מספר התאים: כמספר המאפיינים (Features). זוהי השכבה הראשונה היא מקבלת את הdata ומשם להמשך הרשת.

שכבות חבויות (Fully Connected) - לכל תא בשכבה זו מספר כניסות, כמספר תאי הכניסה (Fully Connected). מספר התאים: כמספר התאים בשכבת הכניסה בתוספת תא אחד או שניים. מספר השכבות: מ־0 ועד לאינסוף. בכל השכבות החבויות בדרך כלל אותו מספר תאים. מספר השכבות ומספר התאים מגדירים את גודל הרשת. יש לבחור רשת גדולה מספיק, אך לא גדולה מדי. רשתות רב־שכבתיות אופייניות הן בעלות שכבה חבויה אחת או שתיים, ומספר הנוירונים בשכבות הנסתרות במקרים רבים אינו עולה על 10. בעיות זיהוי תמונה בדרך כלל מאופיינות עם מספר שכבות גבוה מאוד (מאות שכבות). כוונון מספר הנוירונים ומבנה הרשת יעשה לרוב אמפירית (משוואה מתמטית שחוזה תוצאות שנבחנו, אבל אין לה בסיס תאורטי שיכול להסביר מדוע היא עובדת), תוך שימוש בדוגמאות ולידציה (Validation).

(output layer)

שכבת יציאה – לכל תא בשכבה זו מספר כניסות, כמספר תאי השכבה המוסתרת .

שכבה זו מחזיקה בתוצאות הסופיות לאחר העבודה שנעשתה בשכבה השנייה.



המודל שלי:

```
139 def load_default_model(self) -> None :
140
141
       the default model if the user does not want to use
142
       the pretrained model
143
144
145
       self.model = Sequential()
146
       self.model.add(Conv2D(32, (3, 3), padding = 'same', activation = 'relu',
147
                             input_shape = (50, 50, 3)))
148
       self.model.add(BatchNormalization())
149
150
       self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(3, 3)))
      self.model.add(Dropout(0.25))
151
       self.model.add(Conv2D(16, (3, 3), padding="same", activation="relu"))
152
153
       self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(2, 2)))
154
155
       self.model.add(Conv2D(16, (3, 3), padding="same", activation="relu"))
       self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(2, 2)))
156
157
158
       self.model.add(Conv2D(32, (3, 3), padding="same", activation="relu"))
159
       self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(2, 2)))
160
161
       self.model.add(Flatten())
       self.model.add(Dense(2, activation='softmax'))
162
163
       adam = keras.optimizers.Adam(learning_rate=0.0001)
164
       self.model.compile(loss='binary_crossentropy', optimizer=adam, metrics=['accuracy'])
165
       self.model.summary()
```

סוגי השכבות השונות:

:Conv2D

זוהי שכבת קונבולוציה דו ממדית שיוצרת קונבולוציה עם ספריית קרנל, אשר מקשרת בין השכבות שלפניה ואחריה.

:Filter

פילטר זהו גודל / חלק מהתמונה שהמודל יעבוד עליו. כלומר פילטר של 3*3 כפי שיש אצלי במודל אומר שהמודל יעבור על הפיקסלים של כל תמונה עם פילטר (קובייה) בגודל שלוש על אומר שהמודל יעבור על הפיקסלים של כל תמונה עם פילטר (קובייה) בגודל שלוש על

:BatchNormalization

זוהי טכניקה לאימון רשתות עצביות עמוקות מאוד המנרמלת הקלטים לשכבה. יש לכך השפעה של רבה על ייצוב תהליך הלמידה והפחתה דרסטית של מספר תקופות האימון הנדרשות לאימון רשתות עצביות עמוקות.

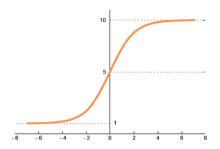
:Dropout

שכבה זו מגדירה באופן אקראי קלטים ל-0 עם תדירות של קצב בכל שלב בזמן האימון מה over fitting.

:Activation Function

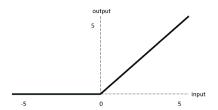
:Softmax

רוב הזמן פונקציה זו קשורה לפונקציית הCross entropy . ברשת קונבולוציה פונקציה זו משמשת לבדיקת מהימנות המודל תוך כדי שימוש בפונקציית השגיאה, וזאת על מנת למקסם את הביצועים של הרשת העצבית שלנו.



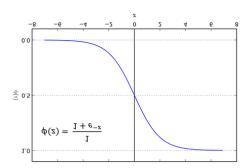
:Relu

פונקציה זו הינה לינארית חלקית שתוציא את הקלט כפלט ישירות אם הוא חיובי, אחרת מחזירה 0.



:Sigmoid

זוהי פונקציה לא לינארית שמחזירה פלט בין 0-1 של סכום המשקלים(קלטים). פונקציה זו מותאמת בעיקר לעבודה של סיווגים בינאריים (0/1).



:Dense

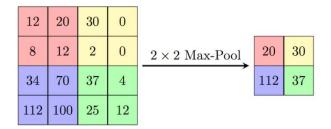
שכבת dense היא שכבה צפופה שמחוברת עם השכבה הקודמת שלה, כלומר הנוירונים של השכבה מחוברים לכל נוירון בשכבה הקודמת. זוהי השכבה הנפוצה ביותר ברשתות עצביות מלאכותיות.

:Flatten

שכבה זו משמשת כדי להמיר את כל המערכים הדו-ממדיים שנוצרו לווקטור ליניארי רציף אחד וארוך. היא משטחת את הערכים מבלי לשנות את הbatch size.

:MaxDool2D

פונקציה אשר מקטינה את ממדי התמונה (אורך ורוחב) על ידי לקיחת הערך המקסימלי של הקלט (בגודל מוגדר מראש pool_size) בכל ממדי התמונה, כלומר מקטין את הפיקסלים של התמונה ולפונקציה זו חשיבות רבה שכן היא משתמשת בפחות משתנים ויכולה להקטין את הסיכוי לover fitting.



מושגים נוספים חשובים:

Data set – מאגר התמונות. המודל צריך ללמוד ולאמן את המודל על תמונות, וכדי לעשות זו אנו נותנים לו מאגר של תמונות המסווגות לקטגוריות. מאגר זה נחלק לשלושה תתי מאגרי מידע: train, test, validation.

Accuracy – אחוז ההצלחה של המודל בחיזוי הקטגוריות של התמונות (1/0).

Loss – מגדיר כמה קרובות היו תוצאות חיזוי התמונות לקטגוריה האמיתית שאליה הן שייכות.

Train data- התמונות אותן המודל לומד בעת תהליך האימון. מאגר זה הוא הגדול ביותר - 170% מכלל התמונות במאגר הממוין.

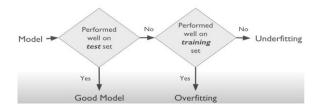
Test data - התמונות אותן המודל אינו לומד, אלא מנסה לזהות בתום תהליך הלמידה. רמת ההצלחה של המודל לזהות נכון את הקטגוריות אליהן שייכות תמונות אלו קובעת כמה המודל טוב וכמה הוא למד לזהות התמונות לפי מאגר ה-train.

validation – **validation data** הוא דמוי test הוא דמוי validation – **validation data** בפני המשתמש את אחוזי ההצלחה של המודל כבר בעת הלמידה שלו. על כן validation validation אלו תמונות שהמודל אינו לומד, אלא מנסה לזהות במהלך האימון שלו.

לכל אחד משלושת חלקי המאגר יש ערכי loss ו accuracy. כך ניתן לבחון האם המודל אכן מבצע למידה ואם כן, כמה הוא מצליח.

שתי בעיות שעלולות להיווצר הן: overfitting ו-under fitting

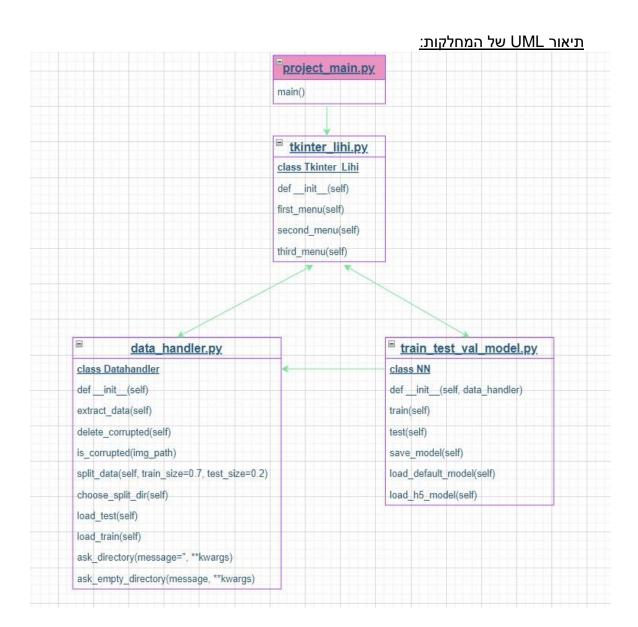
Overfitting- "התאמת יתר" היא מצב בו המודל מותאם יתר על המידה למאגר אותו הוא לומד, ולכן פחות מצליח בביצוע תחזיות. ניתן לזהות מצב כזה כאשר ה-raining accuracy קטן משמעותית מן גבוה משמעותית מן ה-validation accuracy או כאשר ה-validation loss. מצב בו נתקלתי בפרויקט שלי ואפרט עליו יותר בהמשך.



overfitting – ההפך מ-overfitting, מצב בו מאגר הלמידה פשוט מידי ולא כולל מספיק מצב זה מגוון של תמונות שונות, או כאשר יש מיעוט בפרמטרים המגדירים את המודל. במצב זה validation accuracy אינו מצליח ללמוד את התמונות. ניתן לזהות מצב כזה כאשר ה-validation loss גבוה משמעותית מן מכעותית מן ה- accuracy training ה-ctraining loss.

epochs- חלוקה ל-epoch הינה הגדרה של מספר פעמים שתהליך הלמידה יתבצע מחדש.

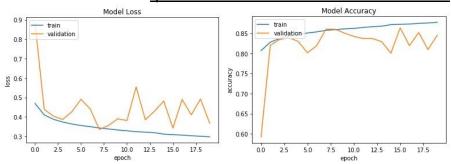
Layer (type)	Output Shape	שכבות המודל: Param #
conv2d (Conv2D)		896
<pre>batch_normalization (BatchN ormalization)</pre>	(None, 50, 50, 32)	128
<pre>max_pooling2d (MaxPooling2D)</pre>	(None, 16, 16, 32)	0
dropout (Dropout)	(None, 16, 16, 32)	0
conv2d_1 (Conv2D)	(None, 16, 16, 16)	4624
<pre>max_pooling2d_1 (MaxPooling 2D)</pre>	(None, 8, 8, 16)	0
conv2d_2 (Conv2D)	(None, 8, 8, 16)	2320
<pre>max_pooling2d_2 (MaxPooling 2D)</pre>	(None, 4, 4, 16)	0
conv2d_3 (Conv2D)	(None, 4, 4, 32)	4640
<pre>max_pooling2d_3 (MaxPooling 2D)</pre>	(None, 2, 2, 32)	0
flatten (Flatten)	(None, 128)	0
dense (Dense)	(None, 2)	258



<u>תהליך האימון:</u> Epoch 1/20
s 65ms/step - loss: 227 - [================] 3447/3447
Epoch 2/20
s 58ms/step - loss: 199 - [===============] 3447/3447
Epoch 3/20
s 61ms/step - loss: 210 - [===============] 3447/3447 0.3854 - accuracy: 0.8333 - val_loss: 0.3905 - val_accuracy: 0.8334
Epoch 4/20
s 58ms/step - loss: 200 - [===============] 3447/3447 0.3744 - accuracy: 0.8388 - val_loss: 0.5305 - val_accuracy: 0.7435
Epoch 5/20
s 61ms/step - loss: 211 - [================] 3447/3447 0.3672 - accuracy: 0.8430 - val_loss: 0.3765 - val_accuracy: 0.8419
Epoch 6/20
s 58ms/step - loss: 200 - [================] 3447/3447 0.3632 - accuracy: 0.8454 - val_loss: 0.3870 - val_accuracy: 0.8350
Epoch 7/20
s 69ms/step - loss: 238 - [============================] 3447/3447 0.3588 - accuracy: 0.8474 - val_loss: 0.4245 - val_accuracy: 0.8127
Epoch 8/20
s 68ms/step - loss: 235 - [=================================] 3447/3447 0.3561 - accuracy: 0.8481 - val_loss: 0.4067 - val_accuracy: 0.8273
Epoch 9/20
s 66ms/step - loss: 226 - [=================] 3447/3447 0.3535 - accuracy: 0.8496 - val_loss: 0.3519 - val_accuracy: 0.8541
Epoch 10/20
s 63ms/step - loss: 217 - [================] 3447/3447 0.3510 - accuracy: 0.8506 - val_loss: 0.3776 - val_accuracy: 0.8403
Epoch 11/20
s 61ms/step - loss: 210 - [===============] 3447/3447 0.3479 - accuracy: 0.8526 - val_loss: 0.3556 - val_accuracy: 0.8560
Epoch 12/20

```
s 63ms/step - loss: 219 - [=========== ] 3447/3447
       0.3460 - accuracy: 0.8534 - val_loss: 0.3551 - val_accuracy: 0.8490
                                                  Epoch 13/20
s 60ms/step - loss: 208 - [=========== 3447/3447
       0.3442 - accuracy: 0.8538 - val_loss: 0.3438 - val_accuracy: 0.8591
                                                  Epoch 14/20
s 62ms/step - loss: 215 - [=========== ] 3447/3447
       0.3429 - accuracy: 0.8547 - val_loss: 0.4593 - val_accuracy: 0.7972
                                                  Epoch 15/20
s 60ms/step - loss: 206 - [========== ] 3447/3447
       0.3408 - accuracy: 0.8554 - val_loss: 0.3697 - val_accuracy: 0.8460
                                                  Epoch 16/20
s 59ms/step - loss: 205 - [=========== ] 3447/3447
       0.3393 - accuracy: 0.8571 - val_loss: 0.3620 - val_accuracy: 0.8498
                                                  Epoch 17/20
s 61ms/step - loss: 211 - [========== 3447/3447
       0.3386 - accuracy: 0.8575 - val_loss: 0.3464 - val_accuracy: 0.8584
                                                  Epoch 18/20
s 77ms/step - loss: 265 - [=========== ] 3447/3447
       0.3361 - accuracy: 0.8579 - val_loss: 0.4780 - val_accuracy: 0.8016
                                                  Epoch 19/20
s 61ms/step - loss: 211 - [========== 3447/3447
       0.3350 - accuracy: 0.8585 - val_loss: 0.3548 - val_accuracy: 0.8528
                                                  Epoch 20/20
0.3342 - accuracy: 0.8590 - val_loss: 0.3383 - val_accuracy: 0.8593
```

<u>דוחות וגרפים המתארים את תוצאות שלב ה</u>אימון:



מימין ניתן לראות את דיוק האימון והאימות המודל כתלות במספר האיפוצ'ים.

משמאל ניתן לראות את שגיאת האימון והאימות המודל כתלות במספר האיפוצ'ים.

תוצאות שלב האימון:

test loss: 0.330997496843338

test accuracy: 0.8613455891609192

דוח הכולל ריכוז כל ה- Hyper Parameters:

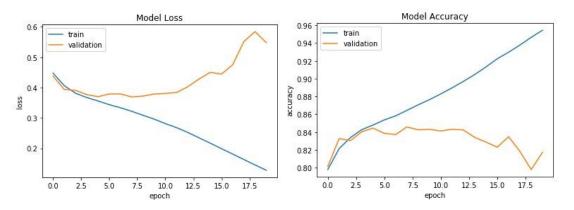
Hyper parameter	Value
Learning rate	0.0001
Epoches	20
Batch size	32
Iterations	3447
Optimizer algorithm	Adam
Activation function	Softmax, relu
Weight initialization	random
Dropout	0.25
Number of hidden layers	5

<u>תיעוד השינויים שנעשו במודל+Hyper parameter לשיפור תוצאות האימון:</u> במהלך אימון המודל אני נתקלתי בבעיית Over fitting בעיה שכיחה בנושא למידת מכונה.

זהו מצב בו מאגר הלמידה פשוט מדי ולא כולל מספיק מגוון של תמונות שונות, או כאשר יש מיעוט בפרמטרים המגדירים את המודל. במצב זה המודל אינו מצליח ללמוד את התמונות. ניתן לזהות מצב זה כאשר דיוק האימות נמוך בהרבה מדיוק האימון, או כאשר שגיאת האימות גבוהה בהרבה משגיאת האימון. תוצאות האימון מקסימליות(דיוק שואף ל-1 ושגיאה שואפת ל-0).

תחילה לא הבנתי מה גורם לבעיה ולמה אני מקבלת כאלו תוצאות, אך לאחר מחקר באינטרנט והבנה שערך השגיאה של האימות בפרויקט שלי גדול בהרבה מערך השגיאה של המודל המאומן גיליתי שזוהי בעיה שכיחה שהרבה מתמודדים איתה. בין הפתרונות שהוצעו היה לשנות את המודל- להוסיף שכבות ולהוריד את מספר הנוירונים דבר שפתר לי את הבעיה והביא אותי ותוצאות הטובות ביותר שהמודל שלי יכל להפיק.

אציג בצורה גרפית את תוצאות האימון כאשר נתקלתי בבעיה:



ניתן לראות בגרף מצד שמאל ששגיאת האימות גדולה בהרבה משגיאת האימון, וגם מצד ימין דיוק האימות די נמוך בהשוואה לדיוק האימון.

: דוגמא לתוצאות שקיבלתי בהרצה

Epoch 20/20

test loss: 0.5411891341209412

test accuracy: 0.818470299243927

ניתן לראות ולהסיק שמדובר בבעיית ה over fitting מכיוון שהמודל לא מניב תוצאות טובות ומספקות.

לאחר שינוי המודל -הוספת שכבות והקטנת מספר הנוירונים, ושינוי הקצב למידה(הקטנתו) הצלחתי לסדר את הבעיה וקיבלתי תוצאות מספקות וטובות לפרויקט שלי (גרפים ותוצאות צוינו קודם).

מודל שגרם לOver fitting:

מודל מתוקן:

```
139 def load_default_model(self) -> None :
140
141
       the default model if the user does not want to use
       the pretrained model
142
143
144
145
       self.model = Sequential()
146
       self.model.add(Conv2D(32, (3, 3), padding = 'same', activation = 'relu',
147
148
                             input_shape = (50, 50, 3)))
       self.model.add(BatchNormalization())
149
150
       self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(3, 3)))
151
      self.model.add(Dropout(0.25))
       self.model.add(Conv2D(16, (3, 3), padding="same", activation="relu"))
152
153
       self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(2, 2)))
154
       self.model.add(Conv2D(16, (3, 3), padding="same", activation="relu"))
155
156
       self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(2, 2)))
157
       self.model.add(Conv2D(32, (3, 3), padding="same", activation="relu"))
158
159
       self.model.add(MaxPool2D(pool_size=(2, 2)))
160
161
       self.model.add(Flatten())
       self.model.add(Dense(2, activation='softmax'))
162
       adam = keras.optimizers.Adam(learning_rate=0.0001)
163
       self.model.compile(loss='binary_crossentropy', optimizer=adam, metrics=['accuracy'])
164
165
       self.model.summary()
```

בנוסף, בתחילת הפרויקט מספר הepoches שלי היה 10 וכדי להגדיל את יעילות ודיוק המודל הגדלתי את המספר ל20.

פונקציית השגיאה:

פונקציית השגיאה מציגה ערך המייצג את סכום השגיאות במודל שלנו. הוא מודד כמה טוב (או רע) המודל שלנו מצליח. אם השגיאות גבוהות, ההפסד יהיה גבוה, מה שאומר שהמודל לא מאומן בצורה טובה. אחרת, ככל שהוא נמוך יותר, כך המודל שלנו עובד טוב יותר.

כדי לחשב את ההפסד, נעשה שימוש בפונקציית הפסד או עלות. ישנן מספר פונקציות הפסד שונות לשימוש. כל אחד מהם מחשב שגיאות בדרכים שונות, והבעיה קובעת באיזו מהן עדיף להשתמש. Cross-Entropy and Mean Squared הם הנפוצים ביותר עבור בעיות סיווג ורגרסיה, בהתאמה.

- משמשת לחישוב שגיאה במקרים שיש 2 פלטים.Binary Cross Entropyפונקציית הבפרויקט שלי יש שני פלטים אשר יכולים להתקבל 0/1 יש סרטן או אין סרטן, ולכן השתמשתי בפונקציה זו.

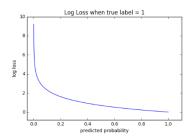
ניתן לחשב פונקציה זו באמצעות לקיחת ההפרש בין מה שהמודל חזה לבין הפלט בפועל. לאחר מכן אנחנו כופלים את התוצאה שקיבלנו בערך הוואי בחזקת הלוגריתם שלו (שמייצג את סיווג התמונה 0/1) .

(שיהיה חיובי), זה אומר שאנחנו לוקחים מספר שלילי מעלים אותו בחזקת הלוגריתם של ואז מחסרים את זה מהחישוב המקורי שלנו.

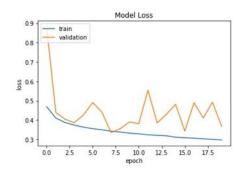
נוסחה לחישוב הפונקציה:

$$H_p(q) = -\frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} y_i \cdot log(p(y_i)) + (1 - y_i) \cdot log(1 - p(y_i))$$

לאחר מכן ערך השגיאה מחושב בסכום כל שגיאות המודל כפול הערך מחישוב הפונקציה. גרף הפונקציה:



: גרף השגיאה של המודל שלי



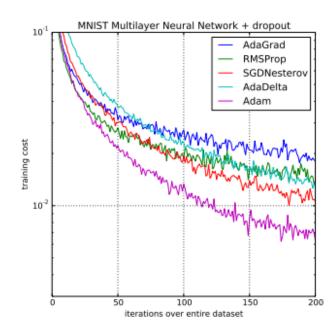
ייעול ההתכנסות (optimization)

אלגוריתמי אופטימיזציה אחראים לצמצום ההפסדים וסיפוק התוצאות המדויקות ביותר epoch שאפשר. המשקל מאותחל באמצעות כמה אסטרטגיות אתחול ומתעדכן עם כל בהתאם למשוואת העדכון.

$$W_{new} = W_{old} - lr * (\nabla_W L)_{W_{old}}$$

המשוואה שלמעלה היא משוואת העדכון באמצעותה מתעדכנים משקלים כדי להגיע לתוצאה המדויקת ביותר. ניתן להשיג את התוצאה הטובה ביותר באמצעות כמה אסטרטגיות אופטימיזציה או אלגוריתמים הנקראים optimizers.

בפרויקט שלי השתמשתי בAdam optimizer - זהו אלגוריתם אופטימיזציה חלופי לירידה בשיפוע לאימון מודלים של למידה עמוקה. אדם משלב את המאפיינים הטובים ביותר של מסר אלגוריתמי אופטימיזציה כדי לספק אלגוריתם אופטימיזציה שיכול להתמודד עם שיפועים דלילים בבעיות קשות, ולכן בחרתי אותו למודל שלי.



שלב היישום (Software deployment):

תיאור והסבר כיצד היישום משתמש במודל:

היישום שלי נבנה באמצעות שימוש ב- Tkinter, למשתמש יוצגו מספר חלונות שיוצרו באמצעות הספרייה Tkinter כאשר כל פעם הוא יצטרך לבחור בכפתור שירצה מכלל הכפתורים בחלון (הסבר מפורט יותר במדריך למשתמש).

המשתמש יכול לבחור להריץ את הפרויקט ממאגר נתונים בקובץ זיפ/ ממאגר נתונים מחולץ/ ממאגר נתונים מחולק (בהרצה ראשונה יהיה חייב מקובץ הזיפ). ממאגר נתונים מחולק train, test, validation (בהרצה ראשונה יהיה חייב מקובץ הזיפ). לאחר מכן הוא יצטרך לבחור שוב בחלון השני האם הוא רוצה להריץ את הפרויקט על המודל הקיים או על מודל שאומן מראש (קובץ ה-h5 שהמשתמש יקבל- נמצא בGitHub שלי). לבסוף בחלון האחרון שיפתח לו המשתמש יבחר האם הוא רוצה לאמן את המודל, לבחון אותו (בנוסף בסוף בחינת המודל תוצג לו תיקיה עם 100 תמונות המסווגות באופן וויזואלי), או לשמור את המודל שאימן, כמו כן הוא גם יכול לחזור לתפריט הקודם במידה ורוצה לבחור מודל אחר.

הסברים מפורטים יותר ניתן לראות במדריך למשתמש (כולל תמונות).

הקוד לתפריט הראשון שיוצג למשתמש:

```
12 class Tkinter_Lihi:
        def __init__(self):
    self.data_handler = Datahandler() # an object of the class, in order to call diffrent functions in this class.
    self.nn = NN(self.data_handler) # an object of the class, in order to call diffrent functions in this class.
              self.nn = NN(self.data handler) # an object of the class, in order to call dis
self.window = None # contains the screen that the user will see in each level.
 15
        def first menu(self) -> None :
19
20
              The first menu that will pop up to the user
              this screen is responsible for the data
22
              self.window = tk.Tk()
              self.window.configure(bg='pink')
             25
26
 29
 30
 31
32
33
                           command=lambda: [self.data_handler.choose_split_dir(), self.second_menu()],
background='yellow').pack(anchor='nw', padx=40, pady=50)
 35
              self.window.mainloop()
```

הקוד לתפריט השני שיוצג למשתמש:

```
36
       def second_menu(self) -> None :
38
39
            The second menu that will pop up to the user
            this screen is responsible for the model that we will work with.
41
42
           self.window.destrov()
           self.window = tk.Tk()
           self.window.configure(bg='pink')
self.window.geometry('500x500')
45
46
            tk.Button(self.window, text='Load default model',
48
                        command=lambda: [self.nn.load_default_model(), self.third_menu()]).pack(anchor='nw', padx=40, pady=50)
           tk.Button(self.window, text='Load pretrained model', command=lambda: [self.nn.load_h5_model(), self.third_menu()]).pack(anchor='nw', padx=40, pady=50)
49
50
            self.window.mainloop()
```

הקוד לתפריט השלישי שיוצג למשתמש:

```
def third_menu(self) -> None :
    """
    The third and last menu that will pop up to the user
    this screen is responsible for training/ testing/ saving the model.
    we can alse return to the prior screen if we want to load a diffrent model.
    """
self.window.destroy()
self.window = tk.Tk()
self.window.configure(bg='pink')
self.window.geometry('500x500')
tk.Button(self.window, text='Train model', command=self.nn.train).pack(anchor='nw', padx=40, pady=50)
tk.Button(self.window, text='Test model', command=self.nn.test).pack(anchor='nw', padx=40, pady=50)
tk.Button(self.window, text='save trained model', command=self.nn.save_model).pack(anchor='nw', padx=40, pady=50)
tk.Button(self.window, text='Back', command=self.second_menu).pack(anchor='nw', padx=40, pady=50)
self.window.mainloop()
```

<u>טכנולוגיית Tkinter:</u>

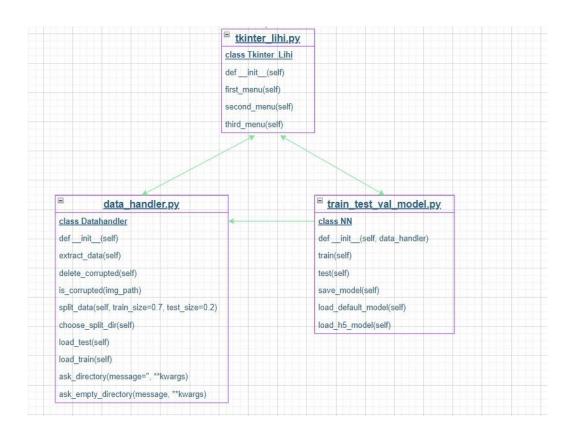
Tkinter הוא ממשק של שפת התכנות פייתון לערכת התצוגה Tk (ספרית קוד חוצה פלטפורמות של כלים גרפיים). כלול בספריה הסטנדרטית של פייתון בהתקנות של פייתון במערכות ההפעלה Linux, Microsoft Windows, ו-Mac OS X.

דוגמא לפקודה בסיסית בספרייה:

יצירת החלון עצמו, הבסיס שעליו ייבנו הווידג'טים האחרים.-Tk()



תרשים UML של המחלקות שמממשות את ממשק המשתמש:



מדריך למפתח

הקבצים בפרויקט:

תפקיד	היכן נמצא	<u>ווקבב ם בפודקס.</u> שם מחלקה/קובץ
המחלקה מטפלת בכל	data_handler.py בקובץ	class Datahandler
הבעיות/ דרישות	aata_::a::a::a::py 12: .12	
הקשורות למאגר הנתונים.		
י סידור מבנה הנתונים,		
בדיקתו, טעינת הנתונים/		
תמונות הנדרשות.		
המחלקה אחראית על	בקובץ	class NN
בניית המודל, אימון	train_test_val_model.py	
המודל, בדיקת המודל,		
שמירת המודל המאומן.		
בנוסף, בתוך המחלקה		
מודפסים הגרפים		
שמראים את דיוק המודל		
.(loss -ı accuracy)		
המחלקה אחראית על	tkinter_lihi.py בקובץ	class Tkinter_Lihi
תקשורת עם המשתמש		
באמצעות הצגת תפריטים		
וכפתורים שונים בהם יוכל		
לנווט בפרויקט.		
בקובץ זה נמצאת הפעולה	זהו קובץ בפני עצמו	project_main.py
הראשית שממנה נריץ את		
הפרויקט והיא תחבר בין		
כלל נתוני הפרויקט.		

<u>הקובץ project main :</u> פונקציות בקובץ:

תפקידה	שם הפונקציה
הפעולה הראשית, תפקידה להתחיל את	def main()
הרצת הפרויקט בכך שתקרא למחלקה	
ותיצור מופע חדש. class Tkinter_Lihi	

משתנים בקובץ:

תפקידו	שם המשתנה
יכיל מופע של המחלקה class	tkinter_lihi
ויזמן את הפעולה של Tkinter_Lihi	
המחלקה אשר מציגה את התפריט	
הראשוני למשתמש, כדי להתחיל את הרצת	
הפרויקט.	

: class Datahandler המחלקה

פונקציות במחלקה:

תפקידה	שם הפונקציה
הפעולה הבונה של המחלקה- בנאי ללא	definit(self)
פרמטרים המשמש ליצירת	
אובייקטים/מופעים של המחלקה. באמצעות	
פעולה זו יהיה ניתן לקרוא לפעולות אחרות	
במחלקה.	
פעולה שמבקשת מהמשתמש את קובץ	def extract_data(self)
הזיפ עם מאגר התמונות, ולאחר מכן	
מבקשת תיקיה ריקה אליה היא תחלץ את	
הקבצים שבזיפ.	
פעולה זו גם מזמנת בסופה את הפעולה	
שמוחקת קבצים/תמונות לא תקינות.	
פעולה זו עובדת עם קובץ הזיפ המחולץ.	def delete_corrupted(self)
היא מחלקת את כלל התמונות לשני	
,0=מערכים של יש סרטן=1, אין סרטן	
ולאחר מכן שולחת לפעולה	
defis_corrupted(img_path)	
שבודקת האם הקובץ לא תקין, במידה והוא	
לא תקין (הפעולה מחזירה True) הפעולה	
מוחקת את הקובץ ממאגר הנתונים.	
בנוסף, הפעולה מחשבת ומדפיסה כמה	
תמונות לא תקינות יש בכל קבוצה (0/1),	
וכמה תמונות תקינות יש בסך כל מאגר	
הנתונים(לאחר בדיקת המידע ותקינותו).	
בסוף התוכנית הפעולה קוראת לפונקציה	
self.split_data()	dof is corrupted/ima noth)
זוהי פעולה סטטית במחלקה המקבלת נתיב של תמונה מהפעולה def	defis_corrupted(img_path)

delete_corrupted(self), היא מורידה את	
התמונה, מנרמלת אותה (לטווח של בין -0	
1) , ובודקת את הגודל שלה (צריך להיות	
אם אחת הבדיקות יצאה לא [50,50,3] . אם אחת	
תקינה הפעולה מחזירה True אחרת	
מחזירה False.	
ראשית, פעולה זו מבקשת מהמשתמש	<pre>def split_data(self, train_size=0.7,</pre>
תיקיה ריקה שבה יהיו התמונות שמחולקות	test_size=0.2)
ל-train,validation,split.	
לאחר מכן, הפעולה מחלקת את התמונות	
, (שני מערכים (0=בלי סרטן, 1= עם סרטן)	
היא מדפיסה כמה תמונות יש בכל מערך,	
ולאחר מכן ממיינת אותן בכך שבוחרת את	
המערך שבו מספר התמונות קטן יותר	
ומשווה את מספר התמונות במערך השני	
למספר זה, לאחר פעולות אלה הפעולה	
תדפיס את מספר התמונות בכל מערך	
לאחר המיון(יהיה אותו מספר).	
לאחר מכן, הפעולה בונה 3 תיקיות בנתיב	
של הקובץ שקיבלה מהמשתמש:	
"training"- שיכיל 70% מכלל התמונות	
במאגר (כמובן מספר שווה של תמונות עם	
וללא סרטן).	
"validation"- שיכיל 10% מכלל התמונות	
במאגר (כמובן מספר שווה של תמונות עם	
וללא סרטן).	
"testing" – שיכיל 20% מכלל התמונות	
במאגר (כמובן מספר שווה של תמונות עם	
וללא סרטן).	
כאשר הוא בונה את התיקיות יהיה מודפס	
על המסך איזו תיקיה נבנית עכשיו. מעבר	
לכך, התיִקיות בנויות כך שבכל תיקיה יש 2	
תיקיות ל-0= ללא סרטן, ול-1=עם סרטן.	
בסוף הפונקציה הפעולה תדפיס שהיא	
סיימה לחלק את מאגר הנתונים.	
במידה והמשתמש מריץ יותר מפעם אחת	def choose_split_dir(self)
את הפרויקט ויש לו כבר את הְקובץ של	
מאגר הנתונים המחולק, כדי לחסוך זמן	
המשתמש יכול באמצעות פעולה זו לבחור	
בקובץ זה במקום לפצל מחדש את המידע.	
פעולה זו מורידה את התמונות לאימון	def load_train(self)
(train), מנרמלת אותן (בין 0-1) ומחלקת	
אותן לשני מערכים, כאשר מערך אחד יכיל	
את התמונות והשני יכיל את "סיווג"	
התמונה (כלומר 0/1) , הפונקציה תחזיר	
את שני המערכים לאחר ערבוב המיקומים	
שלהן.	
פעולה זו מורידה את התמונות לבדיקה	def load_test(self)
(test), מנרמלת אותן (בין 0-1) ומחלקת	
אותן לשני מערכים, כאשר מערך אחד יכיל	

את התמונות לבדיקה והשני יכיל את "סיווג"	
התמונה (כלומר 0/1) , הפונקציה תחזיר	
את שני המערכים לאחר ערבוב המיקומים	
שלהן.	
פעולה זו מורידה את התמונות לאימות	def load_val(self)
(validation), מנרמלת אותן (בין 0-1)	
ומחלקת אותן לשני מערכים, כאשר מערך	
אחד יכיל את התמונות לאימות והשני יכיל	
, את "סיווג" התמונה (כלומר 0/1)	
הפונקציה תחזיר את שני המערכים לאחר	
ערבוב המיקומים שלהן.	
פעולה סטטית של המחלקה המקבלת	defask_directory(message=",
הודעה על בקשה לתיקיה מסוימת, מבקשת	**kwargs)
מהמשתמש את התיקייה שבהודעה	
שקיבלה ומחזירה את התיקייה המבוקשת.	
פעולה סטטית של המחלקה המקבלת	def ask_empty_directory(message,
הודעה/ בקשה לתיקיה מסוימת- כאשר	**kwargs)
התיקייה חייבת להיות ריקה. כל עוד	
המשתמש בחר תיקיה לא ריקה הפעולה	
תמשיך לבקש תיקיה ריקה. הפעולה	
מחזירה את התיקייה הריקה שהמשתמש	
בחר.	

משתנים במחלקה:

תפקידו	שם המשתנה
תכונה של המחלקה אשר תכיל את מאגר	self.extracted_dir
התמונות המחולץ (לאחר פתיחת הזיפ).	
תכונה של המחלקה. תכיל מערך של נתיבי	self.data0
תמונות ללא סרטן.	
תכונה של המחלקה. תכיל מערך של נתיבי	self.data1
תמונות עם סרטן.	
יכיל את נתיבי התמונות (גם עם וגם ללא	self.train_paths
סרטן) שנכניס לתיקיית התמונות לאימון.	
יכיל את נתיבי התמונות (גם עם וגם ללא	self.test_paths
סרטן) שנכניס לתיקיית התמונות לבדיקה.	
יכיל את נתיבי התמונות (גם עם וגם ללא	self.val_paths
סרטן) שנכניס לתיקיית התמונות לאימות.	
יכיל נתיב תיקיה ריקה שהמשתמש יכניס,	self.split_dir
כאשר שם יהיה מאגר הנתונים המחולק	
לשלוש תיקיות :אימון, בדיקה ואימות.	
יכיל את קובץ הזיפ הראשוני של מאגר	zip_file
התמונות שהמשתמש ייתן.	
משתנה שיכיל את כל נתיבי התמונות	imagePatches
ממאגר התמונות המחולץ (גם לפני וגם	
אחרי בדיקת תקינות התמונות).	
משתנה שיכיל את מספר התמונות הלא	corrupted_0
תקינות ללא סרטן- על מנת להדפיס הודעה	
שתעדכן את המשתמש כמה יש.	

משתנה שיכיל את מספר התמונות הלא	corrupted 1
	corrupted_1
תקינות עם סרטן- על מנת להדפיס הודעה	
שתעדכן את המשתמש כמה יש.	
משנה זה יכיל את הקובץ של מאגר	uncorrupted_dir
הנתונים המחולץ לאחר בדיקת תקינות	
הנתונים.	
יכיל את סך כל נתיבי התמונות התקינות	sampled_data0
ללא סרטן- נתיבים שעברו "ערבוב" (כאשר	
מספר נתיבי התמונות ללא סרטן שווה	
למספר נתיבי התמונות עם סרטן).	
יכיל את סך כל נתיבי התמונות התקינות עם	sampled_data1
סרטן- נתיבים שעברו "ערבוב" (כאשר	
מספר נתיבי התמונות ללא סרטן שווה	
י למספר נתיבי התמונות עם סרטן).	
נתיב לתיקיה שתכיל את כל נתיבי התמונות	TRAIN PATH
לאימון.	
נתיב לתיקיה שתכיל את כל נתיבי התמונות	VAL PATH
מנב זוניקור פונפיז אוניפיז בונב הונמומוני לאימות.	VAL_I AIII
יאינוות. נתיב לתיקיה שתכיל את כל נתיבי התמונות	TEST_PATH
	IESI_FAIH
לבדיקה.	Anain agunt
יכיל את מספר נתיבי התמונות שצריכים	train_count
להיות בתיקיה training (70% מכלל	
התמונות)	
יכיל את מספר נתיבי התמונות שצריכים	val_count
להיות בתִיקיה validation (10% מכלל	
התמונות)	
יכיל את מספר נתיבי התמונות שצריכים	test_size
להיות בתיקיה testing (20% מכלל	
התמונות)	
מכיל את כל התמונות מהאימון, בדיקה	datasets
ואימות לפני הפיצול.	
יכיל נתיב של כל תמונה כדי שנכניס את	PATH
נתיב לתיקיה של האימון/ בדיקה / אימות.	
יכיל את "הסיווג" של כל תמונה (0/1) אשר	label
נכניס למערך "הסיווגים"/ תוויות.	
יכיל את התמונה המנורמלת אשר נוסיף	img
למערך התמונות.	9
יכיל מערך של התמונות	images_list
ליו נוערן יידי וווננונות לאימון/בדיקה/אימות של המודל.	inagoo_not
יכיל מערך של "הסיווגים"(0/1)	labels_list
יכיז מעון של ווסיווגים (דוט) לאימון/בדיקה/אימות של המודל.	เลยเราแรง
יכיל את מספר התמונות הנטענות בכל פעם	count
יכיל אונ מספר הונמונות הנטענות בכל פעם כדי להדפיס למסך כל 1000 תמונות	Count
•	
שנטענות.	
יכיל את מערך images_list בסדר	X
מעורבב. בשביל לאמן/לבדוק/לאמת את	
המודל.	
יכיל את מערך labels_list בסדר מעורבב.	У
בשביל לאמן/לבדוק/לאמת את המודל.	

יכיל סדר מעורבב של מערך התמונות כדי	idx
שהמודל לא יתאמן על תבנית קבועה ולא	
נקבל תוצאות מדויקות.	
יכיל את נתיב התיקייה שהמשתמש בחר	dire
בין אם זו תיקייה עם נתונים, או תיקייה	
ריקה.	

: class NN המחלקה פעולות במחלקה:

תפקידה	שם הפונקציה
פעולה בונה של המחלקה, מקבלת מופע	definit(self, data_handler)
של המחלקה Datahandler. פעולה זו	(****, *****_**********************
משמשת ליצירת מופעים של המחלקה NN.	
פעולה זו אחראית על אימון המודל	def train(self)
באמצעות פונקציית fit, תחילה היא שולחת	()
את התמונות לאימון ולאימות לפעולה	
שמורידה את התמונות ואז היא שולחת	
לפונקציית fit את שני המערכים (תמונות	
יתוויות). כאשר הפעולה מסיימת את האימון	
היא מדׄפיסה שני גרפים שמראים את	
השינוי בדיוק (accuracy) של התמונות ב-	
וגרף שני מראה את train, validation	
train, של ה (loss) השינוי בשגיאה	
validation. לבסוף כאשר הפונקציה סיימה	
את האימון היא תדפיס למשתמש הודעה	
שהמודל סיים להתאמן, ושיבחר את	
הפעולה (כפתור) הבא שברצונות לממש.	
פעולה זו אחראית על בחינת המודל בפועל.	def test(self)
תחילה הפעולה מבקשת מהמשתמש	
תיקייה ריקה שתשמש להראות באופן	
ויזואלי 100 תמונות למשתמש וסיווגן,	
כלומר היא תראה 100 תמונות כאשר רשום	
על כל אחת מהן האם יש או אין סרטן ואיך	
המודל "סיווג" את זה (0/1).	
פונקציה זו תקרא לפעולה שמורידה את	
התמונות לבדיקה ומחזירה לה שני מערכים	
תמונות ותוויות 0/1), ולאחר מכן הפונקציה (
מבצעת בחינה של המודל באמצעות	
הפקודה evaluate שבוחנת את אחוזי	
ההצלחה של המודל בכך שהוא מנסה	
לזהות תמונות חדשות שלא למד קודם לכן	
ומציג את אחוזי ההצלחה שלו. בסופו של	
דבר הפונקציה מדפיסה את אחוזי ההצלחה	
של המודל –	
.Loss, Accuracy	
פונקציה זו שומרת את המודל המאומן	def save_model(self)
בקובץ במיקום שהמשתמש בחר וכן שומרת	
את קובץ התוויות הבינארי במיקום	

	שהמשתמש בחר. זאת כדי שיהיה ניתן
	להשתמש בלמידה הנוכחית גם בהרצות
	הבאות של התוכנית וכן בשביל שיהיה ניתן
	לבצע predict מבלי להריץ את המודל
	מחדש.
def load_default_model(self)	פעולה זו אחראית על בניית המודל שאותו
	נאמן ונבדוק באמצעות הפעולות שהוזכרו
	לעיל. (פירוט על המודל, שכבות וכיצד הוא
	פועל יפורט במבנה/ ארכיטקטורה של
	הפרויקט).
def load_h5_model(self)	פעולה זו טוענת את המודל המאומן שנשמר
	קודם לכן (במידה ונשמר). היא מבקשת
	מהמשתמש שיבחר את התיקייה שבה
	המודל המאומן (h5) נמצא ושולחת את
	נתיב הקובץ לפעולה קיימת הנמצאת
	אשר טוענת את tensorflow בספריית
	המודל.

משתנים במחלקה:

תפקידו	שם המשתנה
תכונה של המחלקה, תכיל את ההיסטוריה	self.last_history
של סשן האימונים האחרון.	-
מערך התמונות לאימון המודל.	x_train
מערך הסיווגים/ תוויות של התמונות לאימון.	y_train
מערך התמונות לאימות המודל.	x_val
מערך הסיווגים/ תוויות של התמונות	y_val
לאימות.	
ישמור את המודל המאומן האחרון	history
מכיל את פונקציית השגיאה של המודל	loss
המאומן	
מכיל את פונקציית הדיוק של המודל	accuracy
המאומן.	
יכיל את מידת השגיאה של התמונות	val_loss
לאימות, נראה את זה תוך כדי אימון	
המודל.	
יכיל את מידת הדיוק של התמונות לאימות,	val_accuracy
נראה את זה תוך כדי אימון המודל.	
תיקייה ריקה שהמשתמש יבחר שתשמש	vis_dir
להצגת התמונות שסווגו באופן וויזואלי	
למשתמש.	
מספר התמונות שהמודל סיווג בבדיקה	num_vis
שיוצגו באופן וויזואלי למשתמש (ערך נקבע	
ל100).	
מערך התמונות לבדיקת המודל.	x_test
מערך הסיווגים/ תוויות של התמונות	y_test
לבידקה.	

result	רשימה המכילה את תוצאות בדיקת המודל,
	כלומר accuracy, loss של בדיקת המודל.
idx	יכיל רשימה מעורבבת של מספרים באורך
	של מערך התמונות לבדיקת המודל.
preds	יכיל את התוצאות שהמודל המאומן ייתן
	לתמונות לבדיקה. שימוש במשתנה זה
	בתיקיית התמונות המסווגות באופן וויזואלי.
image	יכיל את התמונות שנכניס לתיקייה שמציגה
_	למשתמש מספר תמונות (100) באופן
	וויזואלי. ואת הסיווג שלהן.
font	קובע את הפונט של מה שרשום על
	התמונות המוצגות באופן וויזואלי
	למשתמש.
label	יכיל את התווית/ סיווג המקורית של
	התמונה שמציגים באופן וויזואלי למשתמש.
pred	יכיל את התווית/ סיווג שהמודל קבע
	לתמונה שמציגים באופן וויזואלי.
cv2_im_processed	יכיל את התמונה המוצגת באופן וויזואלי
	למשתמש בסדר צבעים שונה BGR במקום
	epencv, כדי שepencv יוכל לקרוא את
	התמונה הסדר צבעים צריך להיות כך.
save_name	שם התיקייה שהמשתמש יבחר שבה ישמר
	המודל המאומן.
model_path	יכיל את הנתיב של התיקייה שבה שמור
	המודל המאומן.

Tkinter_Lihi המחלקה: פונקציות במחלקה:

תפקידה	שם הפונקציה
פעולה בונה של המחלקה. ללא פרמטרים.	definit(self)
משמשת ליצירת מופעים / אובייקטים של	
המחלקה.	
פעולה שאחראית על התפריט הראשון	def first_menu(self)
שיוצג למשתמש, פעולה זו מציגה	
למשתמש 3 כפתורים שאחראים על הכנת	
מאגר הנתונים לפרויקט.	
לא מקבלת כלום לא מחזירה כלום.	
פעולה שאחראית על התפריט השני שיוצג	def second_menu(self)
למשתמש, פעולה זו מציגה למשתמש 2	
כפתורים שאחראים על בחירת המודל	
שהפרויקט יעבוד איתו (מאומן או לא	
מאומן).	
לא מקבלת כלום לא מחזירה כלום.	
פעולה שאחראית על התפריט השלישי	def third_menu(self)
שיוצג למשתמש, פעולה זו מציגה	
/למשתמש 4 כפתורים שאחראים על אימון	
בחינת/ שימרת המודל, כמו כן יש עוד	

כפתור שממנו ניתן לחזור לתפריט הקודם-	
תפריט 2.	
לא מקבלת כלום לא מחזירה כלום.	

משתנים במחלקה:

תפקידו	שם המשתנה
תכונה של המחלקה הנתונה, תכיל	self.data_handler
אובייקט/ מופע של המחלקה	
.Datahandler	
משתנה זה מאפשר קריאה לפעולות	
המחלקה	
.Datahandler	
תכונה של המחלקה הנתונה, תכיל	self.nn
אובייקט/ מופע של המחלקה	
NN	
משתנה זה מאפשר קריאה לפעולות	
המחלקה	
NN.	
תכונה של המחלקה, מכילה את המסך/	self.window
תפריט שיוצג למשתמש בכל שלב בהרצה.	

מדריך למשתמש

ראשית יש להתקין על המחשב את סביבת העבודה אנקונדה (שנה 2019) שעובדת עם פייתון גרסה 3.7, בפרויקט שלי סביבת העבודה היא ספיידר(באנקונדה). ניתן גם לעבוד עם פייתון במידה והגרסה היא 3.7. אפשר לבדוק מהי הגרסה על המחשב שלך באמצעות הפקודה:

python --version או python -V

קישור להורדת סביבת העבודה אנקונדה:

https://drive.google.com/file/d/1XibUZAVECTf3yxcNPJOErJay2xwZ7vZa/view ?usp=sharing

הפרויקט משתמש במספר ספריות, ולכן נרצה להוריד אותן באמצעות הprompt (אנקונדה או פייתון). או פייתון).

Link	Installation command	library name
https://pypi.org/project/Keras/	pip install keras	Keras
https://pypi.org/project/tensorflow/	pip install tensorflow	Tensorflow
https://pypi.org/project/matplotlib/	pip install matplotlib	Matplotlib
https://pypi.org/project/numpy/	pip install numpy	Numpy
opencv-python · PyPI	pip install opency-python	opencv
/https://pypi.org/project/glob2	Pip3 install glob2	glob
/https://pypi.org/project/Pillow	pip install pillow	Pillow

<u>הקבצים שנדרשים לפרויקט:</u>

data_handler.py

project_main.py

tkinter_lihi.py

train_test_val.py

trained_model2.h5

קובץ זיפ של מאגר הנתונים uncorrupted data / archive_final (מאגר הנתונים לאחר מחיקת התמונות הלא תקינות) שניתן להוריד באמצעות הקישור הנתון מטה.

קישור לתיקייה –

https://drive.google.com/drive/folders/1a7y4LwFvX_j0jCoBPEMxIPutN2kYP2f M?usp=sharing

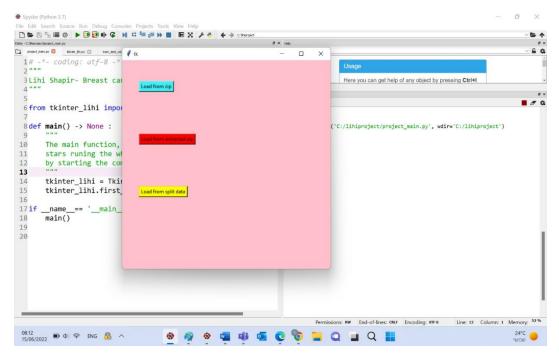
ניתן למצוא את קבצי הפרויקט בGitHub שלי ולהוריד אותם משם- ללחוץ על כפתור Code ניתן למצוא את קבצי הפרויקט ב הירוק וללחוץ על הורד זיפ, אין לשנות שום דבר מתוכני הקבצים ויש לשמור את כולם תחת אותה תיקיה(נשמר אוטומטית תחת אותה תיקייה).

:קישור לGitHub

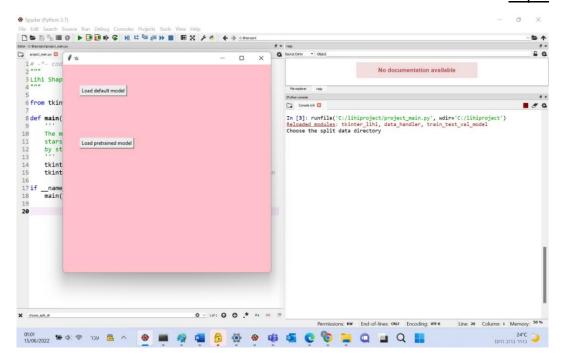
https://github.com/LihiShapir/breast_cancer_project.git

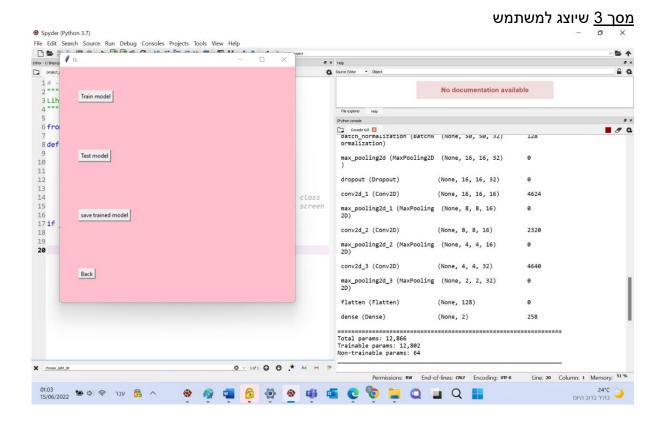
הרצת הפרויקט- לאחר הורדת כל הקבצים – יש לחלץ את הקבצים שהורדו מGitHuba באמצעות מקש ימני על הקובץ ולחיצה על extract all/here . לאחר שכל הקבצים חולצו יש לפתוח את spyder באנקונדה, ולפתוח שם את כל הקבצים בעלי סיומת py . כדי להתחיל את הרצת הפרויקט נלך לקובץ project_main.py ונלחץ על כפתור החץ הירוק שבסרגל הכלים למעלה.

<u>היררכיית המסכים:</u> <u>מסך 1 ש</u>יוצג למשתמש- עם תחילת הרצת הפרויקט



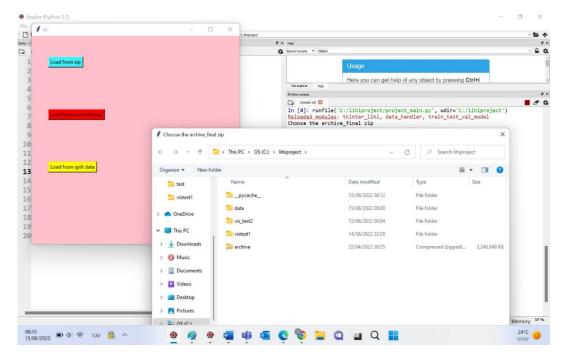
מסך 2 שיוצג למשתמש





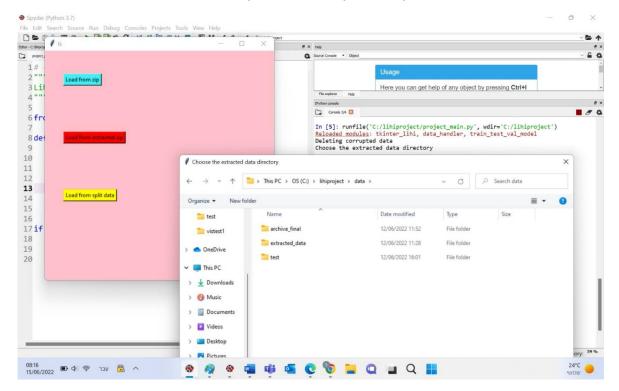
מסך הפתיחה – תפריט 1 שיוצג למשתמש מכיל 3 כפתורים והוא משמש כנקודת ניווט להכנת מאגר הנתונים הנדרש לפרויקט.

במידה ונלחץ על הכפתור הראשון – תכלת שאומר לטעון מקובץ הזיפ תיפתח לנו חלונית חדשה של המסמכים ונצטרך לבחור בקובץ הזיפ שהורדנו מבעוד מועד.



במידה ונלחץ על הכפתור השני בתפריט 1- כפתור אדום שאומר לטעון ממאגר נתונים במידה ונלחץ על הכפתור השני בתפריט 1- כפתור את קובץ extracted_data .

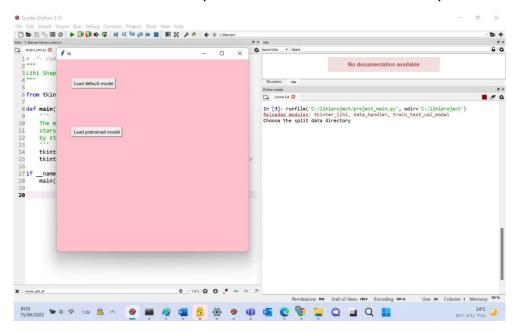
כפתור זה יכול לשמש אותנו במידה והרצנו פעם אחת את הפרויקט מההתחלה- מקובץ הזיפ, ואנחנו רוצים ליעל את הזמן ולא לחלץ שוב את כל הקבצים מהזיפ.



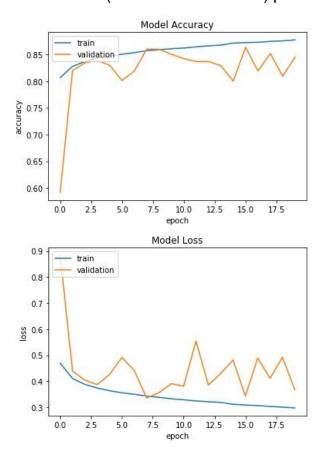
במידה ונלחץ על הכפתור השלישי בתפריט 1- כפתור צהוב שאמר לטעון ממאגר הנתונים המחולק (train, test, validation), תיפתח לנו חלונית נוספת ונצטרך לבחור בקובץ מאגר הנתונים המחולק (split_data).

כפתור זה יכול לשמש אותנו במידה והרצנו פעם אחת את הפרויקט - מקובץ הזיפ ואנחנו רוצים ליעל את הזמן ולא לחלק שוב את כל מאגר הנתונים. מסך **2**- תפריט 2 שיוצג למשתמש מכיל 2 כפתורים והוא אחראי על המודל שהפרויקט עובד איתו.

כפתור 1- כפתור שאומר לטעון מודל ברירת מחדל, כלומר המודל שכתוב בקוד הפרויקט. כאשר נלחץ על הכפתור הזה יפתח לנו תפריט נוסף- תפריט שלוש.

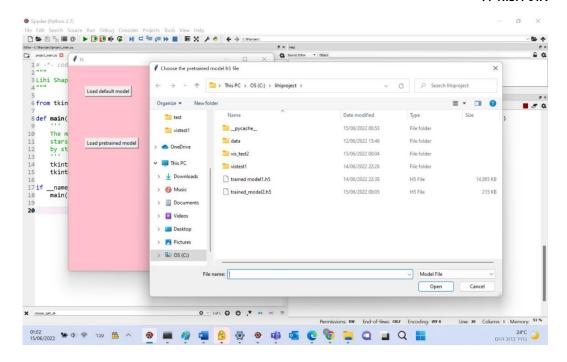


בסוף אימון המודל נוכל לראות שני גרפים שיראו את מידת הaccuracy, loss של המודל באימון (דוגמא לשני גרפים שיוצגו).



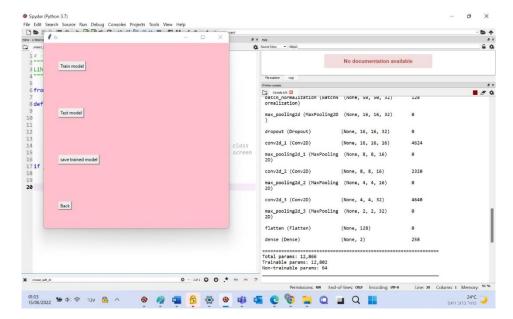
כפתור 2- כפתור שאומר לטעון מודל שאומן קודם לכן, כלומר קובץ h5 של מודל מאומן.

כאשר נלחץ על כפתור זה תיפתח חלונית נוספת שבה המשתמש יצטרך לבחור את הקובץ של המודל המאומן (trained_model2.h5) . כפתור זה יכול לשמש את המשתמש במידה והוא כבר הריץ את המודל פעם אחת ואין ברצונו לאמן את המודל שוב, או במידה והמשתמש הוריד את קובץ h5 של המודל המאומן שקיבל מבעוד מועד ורוצה לחסוך בזמנים ורק לבדוק את המודל.



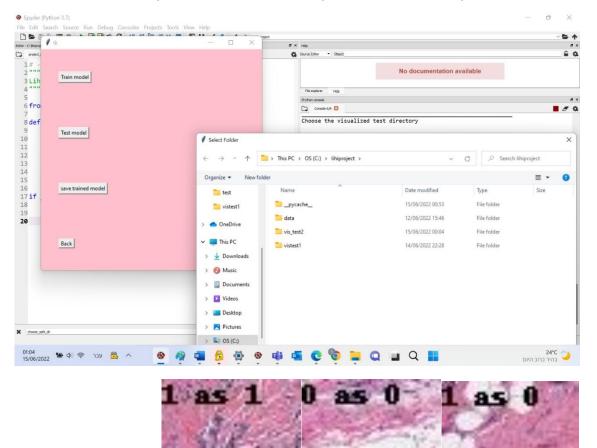
מסך 3 תפריט 3 שיוצג למשתמש מכיל 4 כפתורים והוא אחראי על אימון/ בדיקת שמירת מודל, כמו כן הוא גם יכול חזור לתפריט הקודם במידה והמשתמש ירצה לבחור מודל אחר.

כפתור 1- כפתור שאומר אימון המודל, נוכל לראות בזמן ההרצה את התקדמות אימון המודל.



כפתור 2- כפתור שאומר בחינת המודל, כאשר נלחץ על כפתור זה תיפתח לנו חלונית חדשה שבה נצטרך לבחור תיקיה ריקה/ ליצור אחת ששם לאחר בחינת המודל נוכל לראות באופן ויזואלי "סיווג" של 100 תמונות .

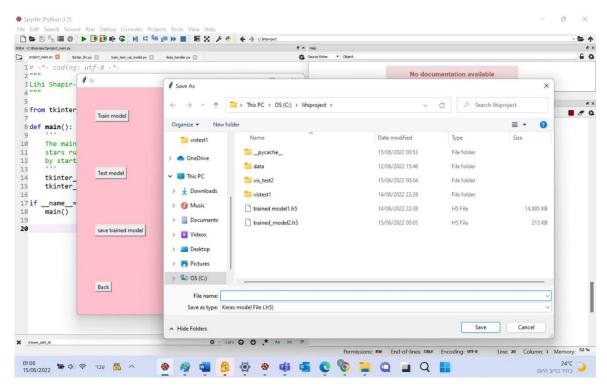
לאחר שיסיים להריץ נוכל לראות מידת דיוק ושגיאה של המודל המאומן.



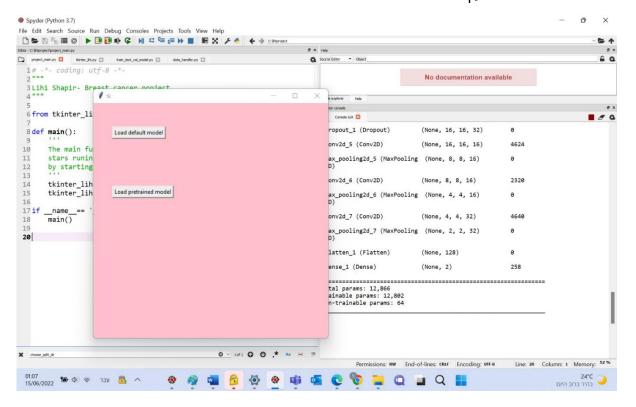
כאן למעלה נוכל לראות 3 תמונות מקובץ vis_test2 – תמונות שמסווגות באופן ויזואלי במהלך בחינת המודל. משמאל ניתן לראות תמונה עם סרטן שסווגה כסרטן, באמצע ניתן לראות תמונה בלי סרטן שסווגה בלי סרטן, ומימין נוכל לראות תמונה עם סרטן שסווגה ללא סרטן. לתמונות נוספות יש להיכנס לקובץ ה-vis_test2 בלithub

כפתור 3- כפתור שאומר שמירת מודל מאומן, כלומר לאחר אימון המודל ובדיקתו אם אנחנו מרוצים מהתוצאות שקיבלנו (accuracy, loss) נוכל לשמור את המודל המאומן כדי שאם נרצה להריץ שוב נוכל רק לבחון את המודל על המודל שאומן מראש.

כאשר נלחץ על כפתור זה תיפתח לנו חלונית חדשה שם נצטרך לבחור שם לקובץ המודל המאומן.



כפתור 4- כפתור שאומר לחזור אחורה, כלומר יחזור לתפריט הקודם תפריט 2. כפתור זה יכול לשמש במידה ורוצים לטעון מודל אחר.



רפלקציה

עבורי העבודה על הפרויקט הייתה מאתגרת מאוד מפאת לחץ הזמנים שהייתי צריכה לעמוד בהם, וכן התקלות שהיו במהלך הרצות הפרויקט ואתגרים שהייתי צריכה לפתור ולהתגבר תוך כדי התהליך. אך עם זאת הפרויקט היווה עבורי נקודת דרך חשובה במהלך הלימודים התיכוניים שלי ולימד אותי רבות על סביבת העבודה ב"עולם האמיתי" ועל איך להתמודד עם קשיים ובעיות שאין דרך אחת נכונה לפתור אותן(למידת מכונה).

מהכנת הפרויקט קיבלתי הרבה ידע לחיים כמו איך ללמד את עצמי חומר רב במיוחד כשרובו הוא לא בשפת האם שלי, למדתי מתי לבקש עזרה מחברי ומתי להתעקש על להבין לבד, כי ככה החומר ילמד בצורה הטובה ביותר, ובנוסף למדתי איך לתכנן את הזמנים שלי נכון כך שאספיק את כל המשימות שלי בזמן.

התמודדתי עם קשיים במהלך הכנת הפרויקט כמו למידת חומר ממאמרים ארוכים כשלא תמיד יש לך הנחיה(החליפו לנו מורים במהלך השנה ולכן הייתה תקופה שהיינו ברשות עצמנו), היה אתגר גדול בהתמודדות עם החוסר וודאות שהפרויקט בנושא זה מביא לפנינו, אך משלל האתגרים שהתמודדתי איתם מסקנתי היא שלמידה עצמית היא כלי חשוב מאוד שאלמלא רכשתי אותו היה לי יותר קשה בעתיד, וכמובן שזה משפיע גם על מקצועות אחרים בהם הייתה לי למידה עצמית יעילה בזכות זה, למדתי על חשיבות הזמן שאנחנו מנהלים ועל חשיבות הלמידה מאנשים אחרים שבהרבה מקרים יכולים ללמד אתכם דברים חדשים שיעזרו לכם בשלב כלשהו גם אם זה לא תמיד נראה כך.

אני חושבת שאם הייתי מתחילה את הפרויקט היום הייתי משנה את הזמן שבו התחלתי לעבוד על הספר פרויקט לשלב מוקדם יותר השנה, ומבינה את חשיבותו ואת הזמן שהוא יצרוך ממני, כי הוא מצריך שעות רבות של עבודה והשקעה. במידה וזה היה קורה העבודה שלי הייתה הרבה יותר יעילה ואפקטיבית.

לסיכום, אני אסכם ואגיד שהפרויקט היה מאתגר ומהנה בו זמנית, אני לא מתחרטת על השעות הרבות והעבודה הקשה שהשקעתי בו מפני שלמדתי ממנו רבות ואני מקווה שהתחום הזה יתפתח ויגדל בארץ. זהו תחום שיכול להוביל להרבה דברים, רעיונות ופרויקטים טובים ומשני עולמות, גם בעולם של תחום המחשבים וגם בעולם המודרני שאנחנו חיים בו כיום.

ביבליוגרפיה

קישור לאתר Kaggle ממנו נלקח מאגר הנתונים:

https://www.kaggle.com/datasets/paultimothymooney/breast-histopathologyimages

מאמר על זיהוי סרטן השד באמצעות למידת מכונה:

https://www.atlantis-press.com/article/125960864.pdf

הסבר על רשתות קונבולוציה:

https://he.wikipedia.org/wiki/%D7%A8%D7%A9%D7%AA_%D7%A7%D7%95%D7%A0%D7%91%D7%95%D7%9C%D7%95%D7%A6%D7%99%D7%94

שימוש בספריית glob:

<u>https://www.codegrepper.com/code-</u>examples/python/glob+find+all+files+recursively

הסבר על אימון ובחינת המודל:

https://www.tensorflow.org/guide/keras/train_and_evaluate

אתר להורדת ספריות שונות:

=https://pypi.org/search/?q

הסברים על הסוגים השונים של הoptimizers:

https://towardsdatascience.com/optimizers-for-training-neural-network-59450d71caf6

:over fitting ו under fitting אתרים שמהם קיבלתי מידע על

https://www.baeldung.com/cs/training-validation-loss-deep-learning

https://deeplizard.com/learn/video/0h8IAm5Ki5g

https://datascience.foundation/sciencewhitepaper/underfitting-and-overfitting-in-machine-learning

אתר שממנו למדתי איך לסווג תמונות באופן וויזואלי:

https://pillow.readthedocs.io/en/stable/reference/ImageDraw.html

: Tkinter שימוש ב

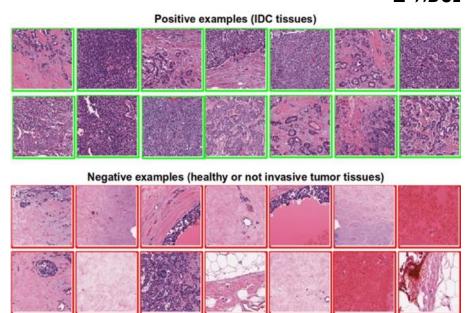
https://docs.python.org/3/library/tkinter.html

כמו כן, הרבה מהחומר הנלמד קראתי ולמדתי ממסמכים שנשלחו על ידי המורה (דינה קראוס).

אתר שמציג דוגמא לתוצאות של מודל אחר העובד עם אותו מאגר נתונים:

https://www.kaggle.com/code/paultimothymooney/predicting-idc-in-breast-cancer-histology-images/notebook

נספחים



מספר תמונות שהמודל סיווג נכון:



מספר תמונות שהמודל סיווג לא נכון:

