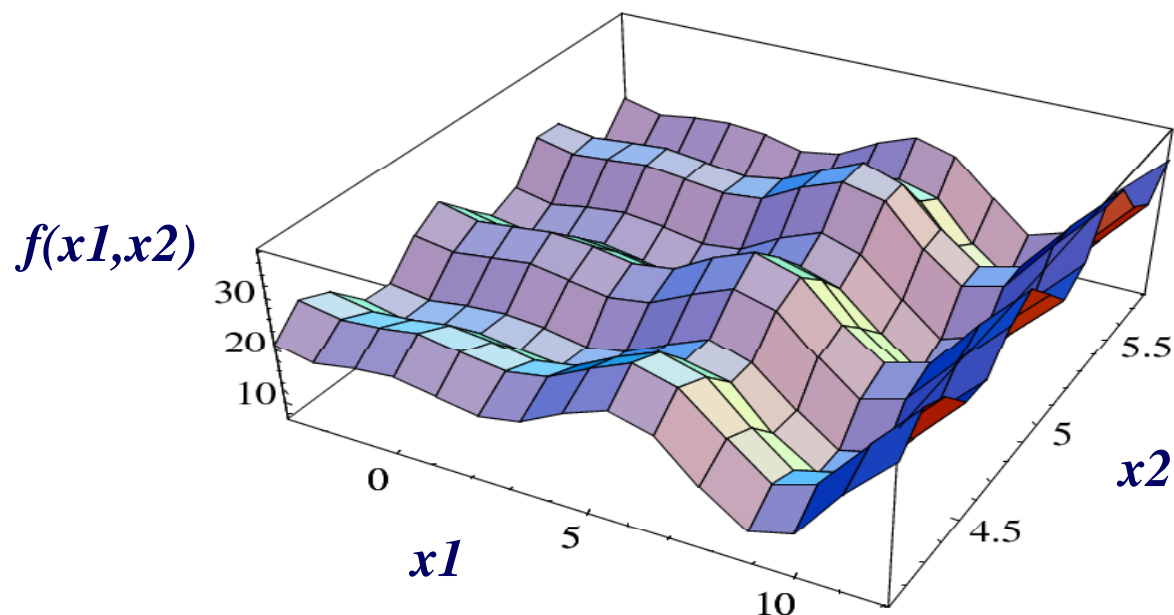


遗传算法—简单实例

- 对如下无约束优化问题:

$$\begin{aligned}\max f(x_1, x_2) &= 21.5 + x_1 \sin(4\pi x_1) + x_2 \sin(20\pi x_2), \\ -3.0 &\leq x_1 \leq 12.1, \\ 4.1 &\leq x_2 \leq 5.8.\end{aligned}$$

- 三维图形如图所示:



遗传算法—简单实例

- 基因表达:

- 应用GA的首要问题，就是进行染色体编码，基本GA的染色体编码为二进制编码，
- 所以，我们首先需要将实数表示的问题的解，编码为二进制串。

- 问题的解:

$[x_1, x_2]$



- 染色体:

$$\begin{array}{c} \underbrace{\hspace{1.5cm}}_{x_1} \hspace{0.5cm} \underbrace{\hspace{1.5cm}}_{x_2} \\ [01\dots01100010\dots10] \\ \underbrace{\hspace{1.5cm}}_{m_1\text{位}} \hspace{0.5cm} \underbrace{\hspace{1.5cm}}_{m_2\text{位}} \end{array}$$



遗传算法—简单实例

- 二进制串的长度确定:

- 串的长度取决于需要的精度, 例如 x_j 的值域是 $[a_j, b_j]$, 要求精度是小数点后6位, 这就要求 x_j 的值域至少要分成 $(b_j - a_j) \times 10^6 + 1$ 份, 设 x_j 所需要的子串长为 m_j , 可由如下公式计算:

$$2^{m_j - 1} < (b_j - a_j) \times 10^6 \leq 2^{m_j} - 1,$$

- 二进制串到实数值的转换

- 将二进制串转换为实数值, 可由如下公式计算:

$$x_j = a_j + decimal(substring_j) \times \frac{b_j - a_j}{2^{m_j} - 1}$$

$decimal(substring_j)$ 表示变量 x_j 的子串 $substring_j$ 的十进制值。

遗传算法—简单实例

● 编码

- 假设 x_1 , x_2 需要的精度都是小数点后4位, 需要的总串长度按下式计算:

$$(12.1 - (-3.0)) \times 10000 = 151000$$

$$2^{17} < 151000 \leq 2^{18} - 1, \quad m_1 = 18$$

$$(5.8 - 4.1) \times 10000 = 17000$$

$$2^{14} < 17000 \leq 2^{15} - 1, \quad m_2 = 15$$

$$m = 18 + 15 = 33$$

- 染色体的总长度为**33**位, 可表示为:

$$\begin{array}{c} \text{←———— 33 bits —————→} \\ v_j \text{ 000001010100101001 10111101111111} \\ \text{←———— 18 bits —————→} \quad \text{← 15 bits →} \end{array}$$



遗传算法—简单实例

33 bits
 v_j 000001010100101001 10111101111111
18 bits 15 bits

➤ 对应的 x_1 , x_2 变量的值为:

	binary number	decimal number
x_1	000001010100101001	5417
x_2	1011110111111110	24318

➤ 实数值为:

$$x_1 = -3.0 + 5417 \times (12.1 - (-3.0)) / (2^{18} - 1) = -2.687969$$

$$x_2 = 4.1 + 24318 \times (5.8 - 4.1) / (2^{15} - 1) = 5.361653$$



遗传算法—简单实例

- 初始种群:

- 随机产生初始种群（假设种群大小为10），对应十进制值

$$v_1 = (000001010100101001101111011111110) \quad v_1 = (x_1, x_2) = (-2.687969, 5.361653)$$

$$v_2 = (001110101110011000000010101001000) \quad v_2 = (x_1, x_2) = (0.474101, 4.170144)$$

$$v_3 = (111000111000001000010101001000110) \quad v_3 = (x_1, x_2) = (10.419457, 4.661461)$$

$$v_4 = (100110110100101101000000010111001) \quad v_4 = (x_1, x_2) = (6.159951, 4.109598)$$

$$v_5 = (000010111101100010001110001101000) \quad v_5 = (x_1, x_2) = (-2.301286, 4.477282)$$

$$v_6 = (1111101010110110000000010110011001) \quad v_6 = (x_1, x_2) = (11.788084, 4.174346)$$

$$v_7 = (110100010011111000100110011101101) \quad v_7 = (x_1, x_2) = (9.342067, 5.121702)$$

$$v_8 = (001011010100001100010110011001100) \quad v_8 = (x_1, x_2) = (-0.330256, 4.694977)$$

$$v_9 = (111110001011101100011101000111101) \quad v_9 = (x_1, x_2) = (11.671267, 4.873501)$$

$$v_{10} = (111101001110101010000010101101010) \quad v_{10} = (x_1, x_2) = (11.446273, 4.171908)$$

遗传算法—简单实例

- 交叉:

- 设交叉率 $p_c = 0.25$, 即平均有25%的染色体进行交叉, 对每个染色体产生一个 $[0,1]$ 间的随机数, 小于交叉率的则选作交叉对象。
- 设随机数序列如下:

0.625721 0.266823 0.288644 0.295114 0.163274
0.567461 0.085940 0.392865 0.770714 0.148656

v_5 and v_7 被选入参与交叉

- 在 $[1,32]$ 之间产生一个随机位置 (因染色体长为33), 假设为7, 则在7处, 将染色体切断, 并交换断点的右端。

$v_5 = (000010111101100010001110001101000)$
 $v_7 = (110100010011111000100110011101101)$
↓
 $v_5' = (000010110011111000100110011101101)$
 $v_7' = (110100011101100010001110001101000)$



遗传算法—简单实例

- 变异:

- 设变异率 $p_m = 0.01$ ，即种群中平均有1%的基因发生变异。
每个染色体基因数：33，种群中染色体个数：10，总的基因：330，平均有3.3个基因发生变异。对每个基因产生一个 $[0,1]$ 间的随机数，小于变异率的，选作变异基因。
- 假设选择结果导致如下基因发生变异：

位置	染色体号	基因序号	随机数
105	4	6	0.009857
164	5	32	0.003113
199	7	1	0.000946
329	10	32	0.001282



遗传算法—简单实例

- 变异:

- 染色体变异如下:

$$v_4 = (10011\mathbf{0}110100101101000000010111001)$$

$$v_4'' = (10011\mathbf{1}110100101101000000010111001)$$

$$v_5 = (0000101111011000100011100011010\mathbf{00})$$

$$v_5'' = (0000101111011000100011100011010\mathbf{10})$$

$$v_7 = (\mathbf{1}10100010011111000100110011101101)$$

$$v_7'' = (\mathbf{0}10100010011111000100110011101101)$$

$$v_{10} = (11110100111010101000000101011010\mathbf{10})$$

$$v_{10}'' = (11110100111010101000000101011010\mathbf{00})$$



- 评估：计算染色体的适值。
 - ① 将二进制的位串（染色体）解码为实数值；
 - ② 将目标函数值映射为适值
 - 对于求极大，可简单地取目标函数值为适值。
 - 适值函数起测定染色体对目标的适应性的作用。



遗传算法—简单实例

➤ 染色体解码:

$$\begin{aligned}v'_5 &= (000010110011111000100110011101101) & v'_5 &= (x_1, x_2) = (-2.33688, 5.121702) \\v'_7 &= (110100011101100010001110001101000) & v'_7 &= (x_1, x_2) = (9.377665, 4.477282) \\v''_4 &= (100111110100101101000000010111001) & v''_4 &= (x_1, x_2) = (6.39589, 4.109598) \\v''_5 &= (000010111101100010001110001101010) & v''_5 &= (x_1, x_2) = (-2.30129, 4.477386) \\v''_7 &= (010100010011111000100110011101101) & v''_7 &= (x_1, x_2) = (1.792038, 5.121702) \\v''_{10} &= (111101001110101010000010101101000) & v''_{10} &= (x_1, x_2) = (11.44627, 4.171804)\end{aligned}$$



遗传算法—简单实例

► 计算染色体的适值。

$$eval(\mathbf{v}_1) = f(-2.687969, 5.361653) = 19.805119$$

$$eval(\mathbf{v}_2) = f(0.474101, 4.170144) = 17.370896$$

$$eval(\mathbf{v}_3) = f(10.419457, 4.661461) = 9.590546$$

$$eval(\mathbf{v}_4) = f(6.159951, 4.109598) = 29.406122$$

$$eval(\mathbf{v}_5) = f(-2.301286, 4.477282) = 15.686091$$

$$eval(\mathbf{v}_6) = f(11.788084, 4.174346) = 11.900541$$

$$eval(\mathbf{v}_7) = f(9.342067, 5.121702) = 17.958717$$

$$eval(\mathbf{v}_8) = f(-0.330256, 4.694977) = 19.763190$$

$$eval(\mathbf{v}_9) = f(11.671267, 4.873501) = 26.401669$$

$$eval(\mathbf{v}_{10}) = f(11.446273, 4.171908) = 10.252480$$

$$eval(\mathbf{v}'_5) = f(-2.33688, 5.121702) = 24.43828$$

$$eval(\mathbf{v}'_7) = f(9.377665, 4.477282) = 7.696252$$

$$eval(\mathbf{v}''_4) = f(6.39589, 4.109598) = 17.65403$$

$$eval(\mathbf{v}''_5) = f(-2.30129, 4.477386) = 15.69017$$

$$eval(\mathbf{v}''_7) = f(1.792038, 5.121702) = 25.60888$$

$$eval(\mathbf{v}''_{10}) = f(11.44627, 4.171804) = 10.25756$$



遗传算法—简单实例

● 选择:

- 采用轮盘赌选择。它是一种正比选择策略，能够根据与适值成正比的概率选出新的种群。

① 对各个染色体计算适值

$$eval(\mathbf{v}_k) = f(\mathbf{x}), k = 1, 2, \dots, K \text{ (包括交叉变异后的所有染色体)}$$

② 计算种群中所有染色体的适值之和

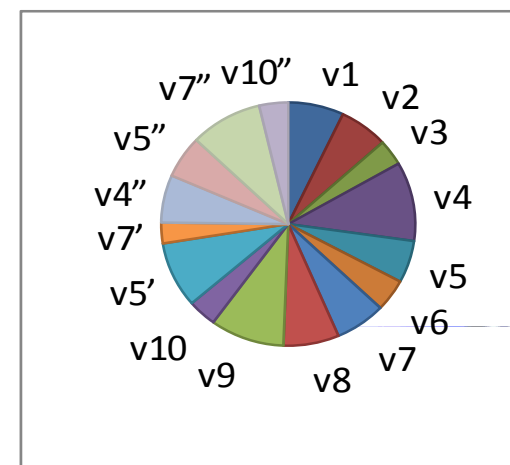
$$F = \sum_{k=1}^K eval(\mathbf{v}_k)$$

③ 对各染色体计算选择概率 (在转盘上占多大的面积)

$$p_k = \frac{eval(\mathbf{v}_k)}{F}, k = 1, 2, \dots, K$$

④ 对各染色体计算累积概率 (在转盘上的位置)

$$q_k = \sum_{j=1}^k p_j, k = 1, 2, \dots, K$$



遗传算法—简单实例

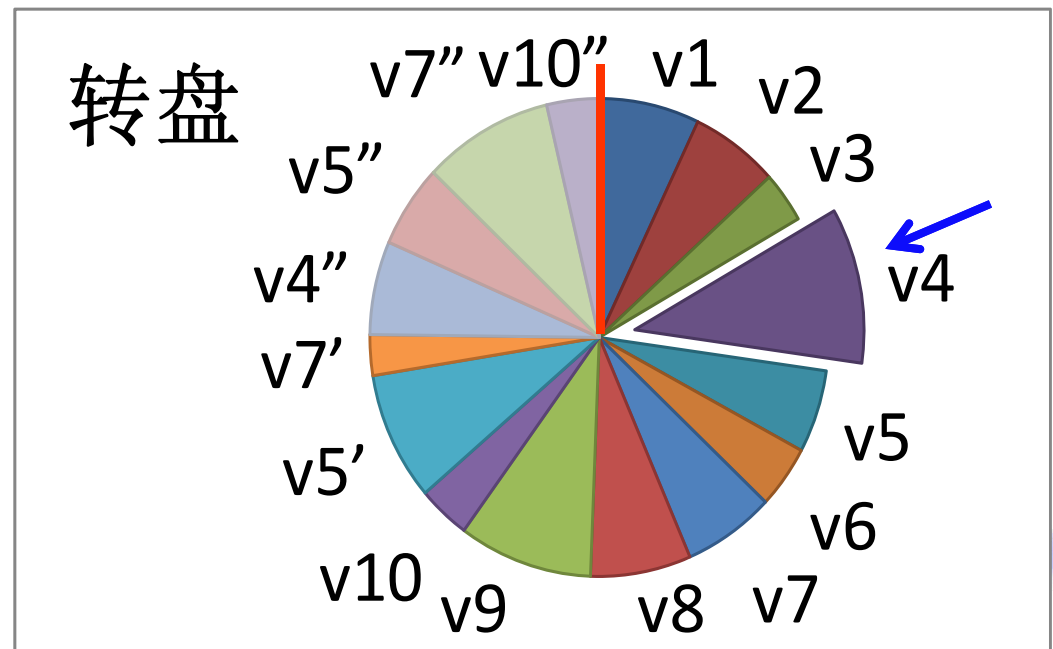
● 选择:

➤ 选择过程如下:

- ① 在 $[0,1]$ 之间, 产生一个均匀分布的伪随机数 r ;
- ② 若下述关系成立, 则选择第 k 个染色体。

$$q_{k-1} < r \leq q_k, q_0 = 0, (1 \leq k \leq K)$$

伪随机数表示指针
大小表示位置
所指向的染色体就是
待选择的染色体



遗传算法—简单实例

- 针对例题，首先计算适值之和

$$F = \sum_{k=1}^{16} eval(v_k) = 279.4805$$

- 计算各染色体选择概率、累积概率

<i>No</i>	<i>eval</i>	<i>p</i>	<i>q</i>
<i>v1</i>	19.80512	0.070864	0.070864
<i>v2</i>	17.3709	0.062154	0.133018
<i>v3</i>	9.590546	0.034316	0.167334
<i>v4</i>	29.40612	0.105217	0.272551
<i>v5</i>	15.68609	0.056126	0.328677
<i>v6</i>	11.90054	0.042581	0.371258
<i>v7</i>	17.95872	0.064257	0.435515
<i>v8</i>	19.76319	0.070714	0.506229
<i>v9</i>	26.40167	0.094467	0.600696
<i>v10</i>	10.25248	0.036684	0.63738
<i>v5'</i>	24.43828	0.087442	0.724822
<i>v7'</i>	7.696252	0.027538	0.75236
<i>v4'</i>	17.65403	0.063167	0.815527
<i>v5''</i>	15.69017	0.05614	0.871668
<i>v7''</i>	25.60888	0.09163	0.963298
<i>v10'</i>	10.25756	0.036702	1

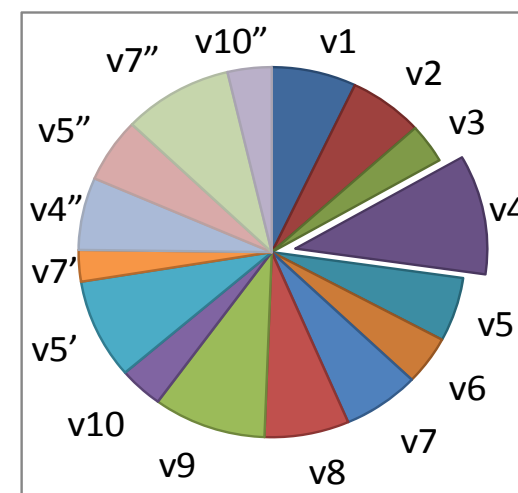
遗传算法—简单实例

- 旋转转轮10次，每次选择一个染色体来构造新种群

0.301431 0.322062 0.766503 0.881893
0.350871 0.583392 0.177618 0.343242
0.032685 0.197577

- 最后选出的种群如下：

$v'_1 = (000010111101100010001110001101000) (v_5)$
 $v'_2 = (000010111101100010001110001101000) (v_5)$
 $v'_3 = (100111110100101101000000010111001) (v''_4)$
 $v'_4 = (110100011101100010001110001101000) (v'_7)$
 $v'_5 = (1111101010110110000000010110011001) (v_6)$
 $v'_6 = (111110001011101100011101000111101) (v_9)$
 $v'_7 = (100110110100101101000000010111001) (v_4)$
 $v'_8 = (1111101010110110000000010110011001) (v_6)$
 $v'_9 = (000001010100101001101111011111110) (v_1)$
 $v'_{10} = (100110110100101101000000010111001) (v_4)$



至此，完成遗传算法的一次迭代。



遗传算法—简单实例

- 如此反复运行，**1000**代后结束，在**419**代得到最佳染色体：

$$\mathbf{v}^* = (111110000000111000111101001010110)$$

$$\text{eval}(\mathbf{v}^*) = f(11.631407, 5.724824) = 38.818208$$

$$x_1^* = 11.631407$$

$$x_2^* = 5.724824$$

$$f(x_1^*, x_2^*) = 38.818208$$

适值变化趋势

