动物育种原理与方法

DMU 软件基本介绍

A brief introduction of DMU

中国农业大学刘剑锋教授课题组

作者: 刁晨光 & 李伟宁 日期: 2022.10.23

讲解: 李伟宁

目录

01

基础介绍



模块介绍



文件准备



示例实战

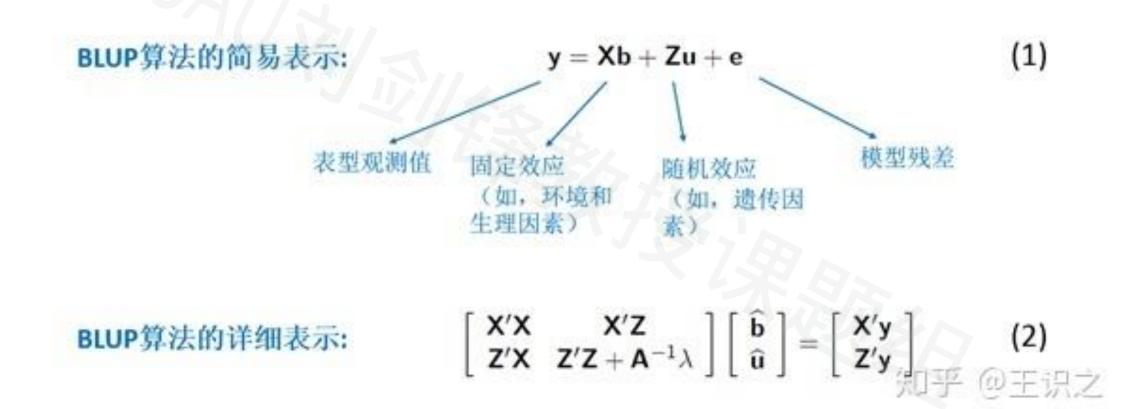
PART I 基础介绍

开发历程

当前进展

1.0 最佳线性无偏预测——BLUP

1.0 best linear unbiased prediction



来源:<u>动物育种核心算法BLUP介绍(公式版) - 知乎 (zhihu.com)</u>

《畜禽育种中的线性模型》 (张勤 1993) 《动物遗传育种中的计算方法》(张勤 2007)

1.1 发展历程

1.1 history of development



项目启动于NIAS

National Institute of Animal Science



命名于DF-REML算法

Multivariate analysis by restricted maximum likelihood based on a Derivative-free approach

D (Derived-free) MU (Multivariate)



持续发展

当前主要负责部门位于奥胡斯大学 (Aarhus University)

在各方支持与资助下,依旧在不断 修改和更新

DF-REML模块已被移除,但名称沿用至今

1.2 当前进展

1.2 current progress

软件内容

> bin

5个运行模块

以编译后的二进制 程序形式发布

> examples

软件模块使用的示例

https://dmu.ghpc.au.dk/dmu/index.html

多平台

Windows, Linux, Mac等系统都有相对 应的版本

使用权限

对学术免费,对商业收费

因此很多团队会开发自己的计算程序 并以 DMU 作为benchmark 金标准

PART II 模块使用

模块划分

工作流程

2.1 模块划分

2.1 partition of module

DMU1

基础必需模块,读取参数卡文件,并对数据文件做预处理



进行方差组分的评估与计算



DMU4

评估模型效应值(直接建立系数矩阵进行求解)

DMU5

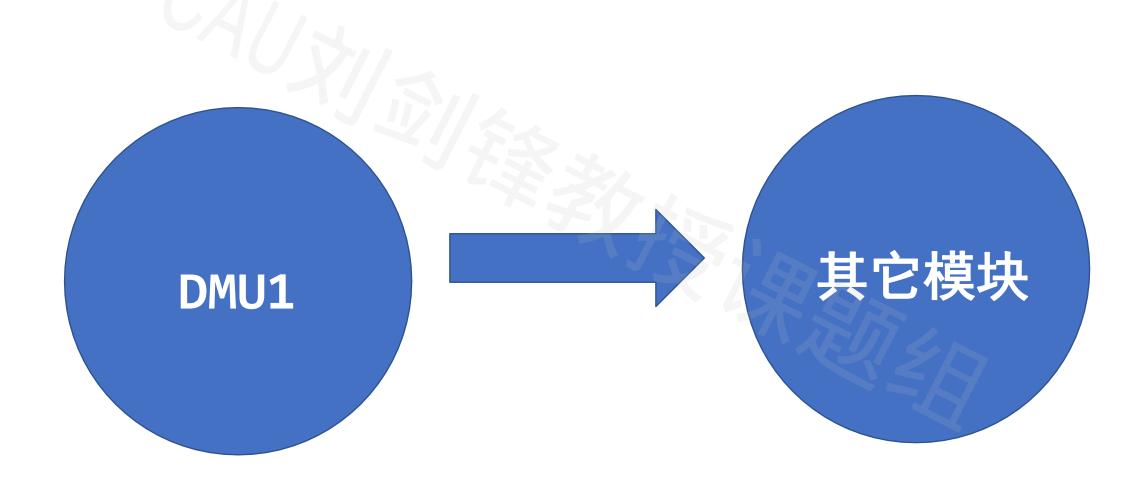
评估模型效应值(迭代读取数据进行求解)

RJMC

贝叶斯MCMC算法模块

2.2 工作流程

2.2 Work flow



PART III 文件准备

待分析数据文件

驱动配置文件

参数对应文件

3.1 数据文件

3.1 data file

- 所有数据列不能出现字母
- 系谱数据要按照祖先先后顺序 进行重编号,这个有R包可以实 现,DMUTrace应该也可以实现 (文档大体上这么说的,但实 际没有处理过,可以试一试)
- 系谱文件格式 个体号 父号 母号(母亲祖父) 排序符 排序符用出生日期,或者全写 成一样的,如0

若父母号有缺失,用0代替

示例

数据文件

23 9 14 19 21 2301 1 410 22 5.3 32.7 54.8 457 413 368 23 9 17 20 22 2301 77 237 3 4 32.3 48.5 472 371 270 23 9 13 19 22 2301 85 171 67 4.8 36.6 63.4 530 488 447

系谱文件

3.1 驱动配置文件

3.1 driver file

\$COMMENT

- 对于程序及分析注释的解释
- 可以自行定义
- 所注释的内容会出现在结果 概述文件的第一页

示例

配置文件

\$COMMENT

This is a test example for testing dmu1-dmu4

Data consists of recordings on 428 young bulls from an experiment on genotype*feeding system interaction

3.2 driver file

\$ANALYSE

定义调用的模块及计算方法

命令参数

\$ANALYSE task method scaling test_prt



\$ANALYSE task method scaling test_prt

配置文件

\$ANALYSE 1 1 0 0

\$ANALYSE 11 9 0 0

3.2 driver file

\$ANALYSE

task

1: 调用DMUAI模块计算 方差组分

2: 调用RJMC模块

11: 调用DMU4模块进行 BLUP计算

12: 调用DMU5模块进行 BLUP计算



\$ANALYSE task method scaling test_prt

配置文件

\$ANALYSE 1100

\$ANALYSE 11 9 0 0

3.2 driver file

\$ANALYSE

method

当task=1时

稀疏矩阵 sparse data	密集矩阵 dense data	使用算法 algorithm	
1	31	AI+EM (DEFAULT)	
2	32	EM	
3	33	EM	
4	34	Al	

示例

\$ANALYSE task method scaling test_prt

配置文件

\$ANALYSE 1 1 0 0

\$ANALYSE 11 9 0 0

3.2 driver file

\$ANALYSE

method

当task=11时

稀疏矩阵 1, 2, …, 10, 21

针对不同优化方式进行,比如松弛 函数的不同,时空复杂度的牺牲与 优化

密集矩阵 20



\$ANALYSE task method scaling test_prt

配置文件

\$ANALYSE 1 1 0 0

\$ANALYSE 11 9 0 0

3.2 driver file

\$ANALYSE

method

当task=12时

2: 预条件共轭梯度法PCG



\$ANALYSE task method scaling test_prt

配置文件

\$ANALYSE 1 1 0 0

\$ANALYSE 11 9 0 0

3.2 driver file

\$ANALYSE

scaling

- 0: 不进行数据归一化处理
- 1: 进行处理

test_prt

- 0: 标准结果输出

示例

\$ANALYSE task method scaling test_prt

配置文件

\$ANALYSE 1 1 0 0

\$ANALYSE 11 9 0 0

3.2 driver file

\$DATA

- 定义调用的模块及计算方法
- 命令参数 数据文件要先写整型变量

\$DATA FMT (#int,#real,#miss) fn [fn2]

FMT ACSII (文本格式)

BINARY(二进制)

#int 整型变量个数

#real 实型变量个数

#miss 缺失值

fn 文件路径, 若有fn2, 则两

类数据分开

示例

\$DATA FMT (#int,#real,miss) fn [fn2] 数据文件

23 9 14 19 21 2301 1 410 22 5.3 32.7 54.8 457 413 368 23 9 17 20 22 2301 77 237 3 4 32.3 48.5 472 371 270 23 9 13 19 22 2301 85 171 67 4.8 36.6 63.4 530 488 447

配置文件

\$DATA ASCII (9,6,-99) data_record

3.2 driver file

\$VARIABLE

- 定义每一列的名称 如果每一
- 列不定义名称,则 DMU会自动命名
 - ➤ 整型变量为 I1-I#int
 - ➤ 实型变量为 R1-R#real
- SNP[1:45000] 也是一种赋值 方式,会生成

SNP1, SNP2, ..., SNP45000

示例

数据文件

23 9 14 19 21 2301 1 410 22 5.3 32.7 54.8 457 413 368 23 9 17 20 22 2301 77 237 3 4 32.3 48.5 472 371 270 23 9 13 19 22 2301 85 171 67 4.8 36.6 63.4 530 488 447

配置文件

Herd B_month D_age Litter Sex HY ID DAM L_Dam W_birth W_2mth W_4mth G_0_2 G_0_4 G_2_4

3.2 driver file

\$MODEL [fn]

定义模型,若定义fn,则 fn为模型所在文件的路径

示例

数据 23 9 14 19 21 2301 1 410 22 5.3 32.7 54.8 457 413 368 23 9 17 20 22 2301 77 237 3 4 32.3 48.5 472 371 270 23 9 13 19 22 2301 85 171 67 4.8 36.6 63.4 530 488 447

变量

\$VARIABLE
Herd B_month D_age Litter Sex HY ID DAM L_Dam

W_birth W_2mth W_4mth G_0_2 G_0_4 G_2_4

模型定义

实际模型(.lst)

```
Trait
                                                 Model
                  W_birth
Trait / effect :
                            = B_month + D_age + Litter + Sex
                                                                       + L_Dam +
                  NOR
                                                                                 R
Type
Input no.
                              12
                                                 14
                                                                         19
                                                                                 18
                                                                                        17
Random mat. no.:
                                                                                         2
```

```
$MODEL

2
0
0
1 0 8 2 3 4 5 6 9 8 7
2 0 8 2 3 4 5 6 9 8 7
3 1 2 2
3 1 2 2
0
0
0
```

3.2 driver file

\$MODEL [fn]

TRAITS 待分析目标性状数

示例

数 23 9 14 19 21 2301 1 410 22 5.3 32.7 54.8 457 413 368 23 9 17 20 22 2301 77 237 3 4 32.3 48.5 472 371 270 23 9 13 19 22 2301 85 171 67 4.8 36.6 63.4 530 488 447

变量

\$VARIABLE

Herd B_month D_age Litter Sex HY ID DAM L_Dam W_birth W_2mth W_4mth G_0_2 G_0_4 G_2_4

模型定义

```
实际模型
```

```
Trait
                                                Model
                  W_birth
                           = B_month + D_age + Litter + Sex + HY
Trait / effect :
                                                                      + L_Dam +
                  NOR
                                                                                 R
Type
Input no.
                              12
                                                14
                                                                        19
                                                                                        17
                                                                                 18
Random mat. no.:
                                                                                        2
```

3.2 driver file

\$MODEL [fn]

ABSORB 每个目标性状一行 为DMU5使用,为每一行数据提供迭代初值 目前来说,无论DMU4,DMU5都需要 添加,使用方法是每个性状都赋予 一个0值

示例

数 23 9 14 19 21 2301 1 410 22 5.3 32.7 54.8 457 413 368 23 9 17 20 22 2301 77 237 3 4 32.3 48.5 472 371 270 23 9 13 19 22 2301 85 171 67 4.8 36.6 63.4 530 488 447

变量

\$VARIABLE
Herd B_month D_age Litter Sex HY ID DAM L_Dam

W_birth W_2mth W_4mth G_0_2 G_0_4 G_2_4

模型定义

\$MODEL

```
实际模型
```

3.2 driver file

\$MODEL [fn]

Trait

NOR

Trait / effect :

Random mat. no.:

Type

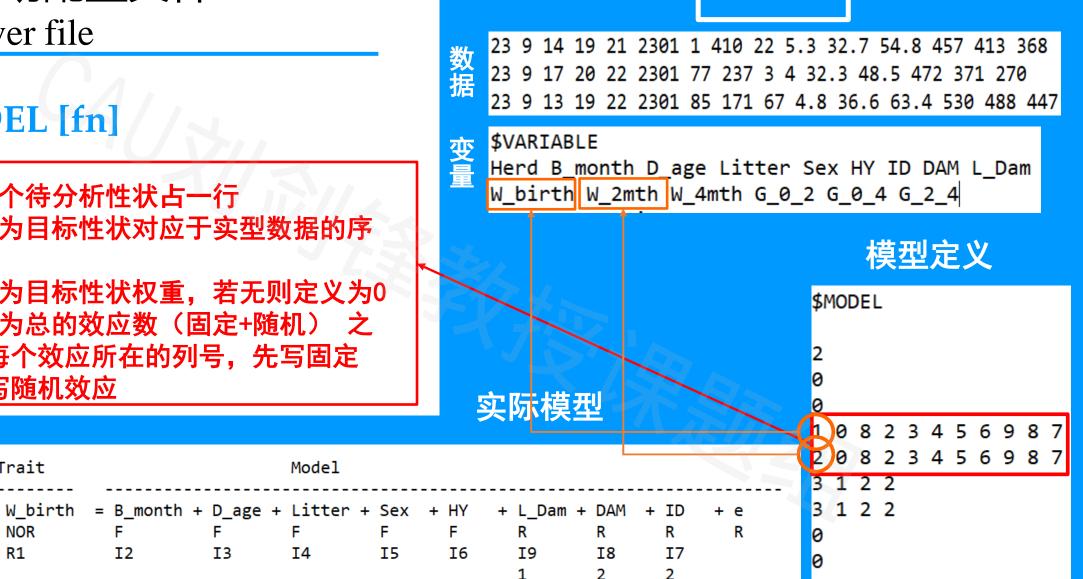
Input no.

每个待分析性状占一行 1 个数为目标性状对应于实型数据的序 号 2 个数为目标性状权重,若无则定义为0 3 个数为总的效应数(固定+随机) 后的数为每个效应所在的列号,先写固定 效应,再写随机效应

Model

14

示例



3.2 driver file

\$MODEL [fn]

RANDOM: 每个待分析性状占一行第 1 个数定义随机效应的个数 之后的数定义随机效应分组(比如两个 效应之间有相关分为1组,则定义的数值 相同)— 分组数一定要和定义的随机效应总数相同!!!

示例

数 据 23 9 14 19 21 2301 1 410 22 5.3 32.7 54.8 457 413 368 23 9 17 20 22 2301 77 237 3 4 32.3 48.5 472 371 270 23 9 13 19 22 2301 85 171 67 4.8 36.6 63.4 530 488 447

变量

\$VARIABLE

Herd B_month D_age Litter Sex HY ID DAM L_Dam W_birth W_2mth W_4mth G_0_2 G_0_4 G_2_4

模型定义

```
实际模型
```

3.2 driver file

\$MODEL [fn]

REGRES:每个待分析性状占一行第 1 个数为回归的效应个数之后写出与目标性状有回归关系的实型数据所在实型数据列号,若有嵌套,在 括号中定义 若无,定义为0

示例

数据 23 9 14 19 21 2301 1 410 22 5.3 32.7 54.8 457 413 368 23 9 17 20 22 2301 77 237 3 4 32.3 48.5 472 371 270 23 9 13 19 22 2301 85 171 67 4.8 36.6 63.4 530 488 447

变量

\$VARIABLE

Herd B_month D_age Litter Sex HY ID DAM L_Dam W_birth W_2mth W_4mth G_0_2 G_0_4 G_2_4

模型定义

\$MODEL

```
2
0
0
1 0 8 2 3 4 5 6 9 8
2 0 8 2 3 4 5 6 9 8
3 1 2 2
3 1 2 2
0
```

实际模型

3.2 driver file

\$MODEL [fn]

NOCOV: 指明有几列目标性状之间不存在协方差(比如这两个性状来自不同个体,或者不同测量标准等)若不需定义,定义0若需定义,第 1 行定义不需估协方差的组个数第 2 行定义目标性状所在实型数据列序号

示例

数 据 23 9 14 19 21 2301 1 410 22 5.3 32.7 54.8 457 413 368 23 9 17 20 22 2301 77 237 3 4 32.3 48.5 472 371 270 23 9 13 19 22 2301 85 171 67 4.8 36.6 63.4 530 488 447

变量

\$VARIABLE
Herd B_month D_age Litter Sex HY ID DAM L_Dam

W_birth W_2mth W_4mth G_0_2 G_0_4 G_2_4

模型定义

```
实际模型
```

```
Trait / effect : W_birth = B_month + D_age + Litter + Sex + HY + L_Dam + DAM + ID + e
Type : NOR F F F F R R R R
Input no. : R1 I2 I3 I4 I5 I6 I9 I8 I7
Random mat. no.: 1 2 2
```

3.2 driver file

\$VAR_STR

 $r_factor:$ 需计算的方差组分个数,其

实基本就是定义的随机效应

组数(如果没有定义NOCOV

的话)

type: PED, DOM, COR, GREL,

PGMIX, ABS_QTL or

GROUP

一般我们做遗传分析的时候, 用PED使用系谱文件即可



\$VAR_STR r_factor type <options>

配置文件

```
$MODEL
2
0
0
10823456987
20823456987
3122
3122
0
0
```

\$VAR_STR 2 PED 2 ASCII pedigree

3.2 driver file

\$VAR_STR

<options>

当type=PED时

method: 构建A-1 的方法

(1, 2, 3, or 6)

FMT: ACSII (文本格式)

BINARY (二进制格式)

fn: 系谱文件路径

示例

\$VAR_STR r_factor type <options>

配置文件

```
$MODEL
2
0
0
10823456987
20823456987
3122
3122
0
```

\$VAR_STR 2 PED 2 ASCII pedigree

3.2 driver file

\$PRIOR

- 对于DMU4, DMU5必须, 定义 数据方差组分
- 对于DMUAI, 是设立迭代的 初始值

示例

配置文件

\$PRIOR

- 1 1 1 0.13542380
- 1 2 1 -.75905131E-02
- 1 2 2 3.8657889
- 2 1 1 0.24659417
- 2 2 1 -.77384647E-01
- 2 2 2 0.18310292
- 2 3 1 0.67423021
- 2 3 2 -.31788075
- 2 3 3 3.8725255
- 2 4 1 -.33640244
- 2 4 2 0.53673646
- 2 4 3 -2.0191381
- 2 4 4 2.5124495
- 3 1 1 0.27749726
- 3 2 1 0.66365521
- 3 2 2 9.5845346

3.2 driver file

\$RESIDUALS

- 是否计算并存储残差
- FMT: 存储文件格式

示例

\$RESIDUALS FMT

配置文件

\$RESIDUALS ASCII

3.2 driver file

\$DMU4

\$DMU5

\$DMUAI

示例

配置文件

\$DMU5 1000 1.0E-09 1000

\$DMUA1		
10	Emstep	Number of steps before full weight on EM in imet = 2
1.0d-7	Conv_ndelta	Convergence criteria for norm of the update vector
1.0d-6	Conv_gnorm	Convergence criteria for norm of the gradient vector (AI)
0	Printout	1 -> Solution vector is printed/written to file SOL
0	Fspopt	Time (0) or memory (1) optimised FSPAK
0	P_neval	Restart an analysis from evaluation p_neval.

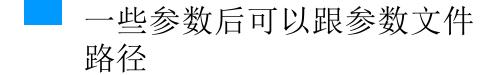
不同模块有各自对应的参数, 可根据实际情况自行配置, 系统会给默认值

SDMU4 33 34

3.3 参数对应文件

3.3 parameter file

\$MODLE fn \$PRIOR fn



示例

配置文件

```
$MODEL test4.model
$PRIOR test4.prior
```

test4. model

2 0 0 5 0 3 2 3 7 8 0 3 2 3 7 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1

test4. prior

```
1 1 1 302.13847
1 2 1 14.535160
1 2 2 602.30471
2 1 1 12811.007
2 2 2 7009.4721
```

PART IV 示例实战

运行讲解

经典模型

4.1 运行讲解

4.1 How to run

```
#!/bin/bash
if [ $# -eq 0 ]
                         这个只是定义
 then
                         DIR文件的名称
   name=test4
 else
   name=$1
fi
export name
time ../../bin/dmu1 < $name.DIR > $name.lst
if [ $? -eq 0 ]
                           运行主命令
then
 echo '1' >> $name.lst
 time ../../bin/dmu4 >> $name.lst
 if [ $? -eq 0 ]
 then
    rm -f PEDFILE* AINV* fort.* PARIN DMU*.dir
   rm -f CODE TABLE DMU LOG
   rm -f DUMMY MODINF
   rm -f RCDATA I RCDATA R
   if [ -f INBREED ]
   then
     if [ -s INBREED ]
```



运行总结

先用dmu1程序读取参数卡文件

再用后续模块进行分析

啦啦啦

4.1 运行讲解

4.1 How to run

0	4	7	2	0	0	0	0.00000	0.00000
2	1	0	1	8	65	1	3.51657	0.315364
2	1	0	1	9	1488	2	3.55374	0.272821
2	1	0	1	10	566	3	3.53139	0.274880
2	1	0	1	11	68	4	3.47799	0.298146
2	1	0	2	12	195	1	-1.16736	0.123236
2	1	0	2	13	691	2	-0.535212	0.904736E-01
2	1	0	2	14	538	3	-0.103321	0.889854E-01
2	1	0	2	15	345	4	0.169018E-01	0.906637E-01
2	1	0	2	16	245	5	0.694651E-01	0.922839E-01
2	1	0	2	17	173	6	0.00000	1.00000
2	1	0	3	18	306	1	1.78807	0.713708E-01
2	1	0	3	19	1234	2	0.866293	0.528265E-01
2	1	0	3	20	647	3	0.00000	1.00000
2	1	0	4	21	1065	1	0.170475	0.317703E-01
2	1	0	4	22	1122	2	0.00000	1.00000
2	1	0	5	2301	53	1	0.830653	0.316709
2	1	0	5	2302	35	2	0.825906	0.330306



结果分析

第1行为统计数据

第2行开始

第1列为效应类型

Code for type of effect:

1: Regression.

2: Fixed.

Random other than the "genetic

effect".

4: "Genetic".

5: "Effect specified to be absorbed"

4.1 运行讲解

4.1 How to run

0	4	/		9	0	0	0.00000	0.00000
2	1	0	1	8	65	1	3.51657	0.315364
2	1	0	1	9	1488	2	3.55374	0.272821
2	1	0	1	10	566	3	3.53139	0.274880
2	1	0	1	11	68	4	3.47799	0.298146
2	1	0	2	12	195	1	-1.16736	0.123236
2	1	0	2	13	691	2	-0.535212	0.904736E-01
2	1	0	2	14	538	3	-0.103321	0.889854E-01
2	1	0	2	15	345	4	0.169018E-01	0.906637E-01
2	1	0	2	16	245	5	0.694651E-01	0.922839E-01
2	1	0	2	17	173	6	0.00000	1.00000
2	1	0	3	18	306	1	1.78807	0.713708E-01
2	1	0	3	19	1234	2	0.866293	0.528265E-01
2	1	0	3	20	647	3	0.00000	1.00000
2	1	0	4	21	1065	1	0.170475	0.317703E-01
2	1	0	4	22	1122	2	0.00000	1.00000
2	1	0	5	2301	53	1	0.830653	0.316709
2	1	0	5	2302	35	2	0.825906	0.330306

a aaaaa



a aaaaa

结果分析

第1行为统计数据

第2行开始

第1列为效应类型

第2列为目标性状编号

第8列为预测值

LiweiningMG/Course: 视频教学附件材料 (github.com)

https://github.com/LiweiningMG/Course

4.2 Jingdian Examples

单性状模型

```
$ANALYSE 1 1 0 0

$DATA ASCII (3,8,-99) phenotypes.txt

$VAR_STR 1 PED 2 ASCII pedigree.txt

$MODEL
```

```
1
0
6 0 3 2 1 3
2 1 2
```

0

```
litter ADFI
                         ADG
                               FCR
                                      RFI
                                             BF
                                                   AGE
                                                           MWT
                                                                   BWT
                                     -0.384 15.01 161.560
                         0.821 2.346
     20171 174398 2.157 0.772 2.494 -0.215 8.086 149.673
                   2.196 0.772 2.425 -0.413 11.11
                         0.673 \ 2.295 \ -0.389 \ 13.38
                   2.076 0.772 2.327 -0.437 9.560
                     .094 0.804 2.347 -0.281 9.061 148.722
     20171 174454 2.015 0.803 2.294 -0.314 9.219 150.436 25.867 44
90021 20171 174454 2.243 0.842 2.170 -0.402 11.48 133.982 27.498 52
90022 20171 174454 1.922 0.861 2.154 -0.245 9.815 156.966 23.940 36
```

4.2 Jingdian Examples

单性状模型(指定方差组分)

```
$ANALYSE 11 9 0 0
$DATA ASCII (3,8,-99) phenotypes.txt
$VAR_STR 1 PED 2 ASCII pedigree.txt
$MODEL
11000
603213
2 1 2
$PRIOR single.PAROUT
```

```
        ID
        ys
        litter
        ADFI
        ADG
        FCR
        RFI
        BF
        AGE
        MWT
        BWT

        35772
        20171
        174251
        2.061
        0.821
        2.346
        -0.384
        15.01
        161.560
        25.358
        42

        89333
        20171
        174398
        2.157
        0.772
        2.494
        -0.215
        8.086
        149.673
        26.749
        48

        91192
        20171
        174428
        2.196
        0.772
        2.425
        -0.413
        11.11
        144.027
        27.870
        51

        91193
        20171
        174428
        -99
        0.673
        2.295
        -0.389
        13.38
        172.941
        22.892
        41

        91194
        20171
        174428
        2.076
        0.772
        2.327
        -0.437
        9.560
        145.557
        27.498
        50

        91195
        20171
        174454
        2.094
        0.804
        2.347
        -0.281
        9.061
        148.722
        26.246
        45

        90020
        20171
        174454
        2.015
        0.803
        2.294
```

4.2 Jingdian Examples

单性状模型 (加入协变量)

```
$ANALYSE 1 1 0 0
$DATA ASCII (3,8,-99) phenotypes.txt
$VAR_STR 1 PED 2 ASCII pedigree.txt
$MODEL
11000
603213
2 1 2
```

```
ADG
            litter ADFI
                               FCR
                                      RFI
                                             BF
                                                   AGE
                                                            MWT
                                                                   BWT
                         0.821 2.346 -0.384 15.01 161.560
     20171 174398 2.157 0.772 2.494 -0.215 8.086 149.673
                         0.673 \ 2.295 \ -0.389 \ 13.38 \ 172.941
     20171 174428 2.076 0.772 2.327 -0.437 9.560
                     .094 0.804 2.347 -0.281 9.061 148.722
     20171 174454 2.015 0.803 2.294 -0.314 9.219 150.436 25.867 44
90021 20171 174454 2.243 0.842 2.170 -0.402 11.48 133.982 27.498 52
90022 20171 174454 1.922 0.861 2.154 -0.245 9.815 156.966 23.940 36
```

4.2 Jingdian Examples

单性状重复力模型

```
$ANALYSE 1 1 0 0
$DATA ASCII (3,2,-9999) phenotypes.txt
$MODEL
1042311
2 1 2
$VAR_STR 1 PED 2 ASCII pedigree.txt
```

```
449362
       220151 1
449362
       220162
449362
       220164
449362
       220154
449362
      220153
152369 220161
152369 220152
152369 220151
29489 220151
```

4.2 Jingdian Examples

双性状模型

```
$ANALYSE 1 1 0 0
$DATA ASCII (3,8,-99) phenotypes.txt
$VAR_STR 1 PED 2 ASCII pedigree.txt
$MODEL
                                                litter ADFI ADG
                                    ID
                                                                   FCR
                                                                         RFI
                                                                                BF
                                                                                      AGE
                                                                                              MWT
                                                                                                     BWT
                                          уs
                                                             0.821 2.346 -0.384 15.01 161.560 25.358 42
                                                174398 2.157 0.772 2.494 -0.215 8.086 149.673 26.749 48
303<del>213</del>
20321-3
2 1 2
2 1 3
                                          20171 174454 2.015 0.803 2.294 -0.314 9.219 150.436
                                    90021 20171 174454 2.243 0.842 2.170 -0.402 11.48 133.982 27.498 52
0
                                    90022 20171 174454 1.922 0.861 2.154 -0.245 9.815 156.966 23.940 36
```

4.2 Jingdian Examples

双性状模型 (除加性和残差外无其他随机效应)

```
$ANALYSE 1 1 0 0
$DATA ASCII (3,8,-99) phenotypes.txt
$VAR_STR 1 PED 2 ASCII pedigree.txt
$MODEL
30221
20221
11
0
```

```
ID ys litter ADFI ADG FCR RFI BF AGE MWT BWT 35772 20171 174251 2.061 0.821 2.346 -0.384 15.01 161.560 25.358 42 89333 20171 174398 2.157 0.772 2.494 -0.215 8.086 149.673 26.749 48 91192 20171 174428 2.196 0.772 2.425 -0.413 11.11 144.027 27.870 51 91193 20171 174428 -99 0.673 2.295 -0.389 13.38 172.941 22.892 41 91194 20171 174428 2.076 0.772 2.327 -0.437 9.560 145.557 27.498 50 91195 20171 174428 2.422 0.768 2.524 -0.485 14.46 138.392 29.341 55 90019 20171 174454 2.094 0.804 2.347 -0.281 9.061 148.722 26.246 45 90020 20171 174454 2.243 0.804 2.347 -0.281 9.061 148.722 26.246 45 90021 20171 174454 2.243 0.842 2.170 -0.402 11.48 133.982 27.498 52 90022 20171 174454 1.922 0.861 2.154 -0.245 9.815 156.966 23.940 36
```

4.2 Jingdian Examples

双性状模型 (残差不相关)

```
$ANALYSE 1 1 0 0
$DATA ASCII (3,8,-99) phenotypes.txt
$VAR_STR 1 PED 2 ASCII pedigree.txt
$MODEL
30221
20221
```

```
ID ys litter ADFI ADG FCR RFI BF AGE MWT BWT 35772 20171 174251 2.061 0.821 2.346 -0.384 15.01 161.560 25.358 42 89333 20171 174398 2.157 0.772 2.494 -0.215 8.086 149.673 26.749 48 91192 20171 174428 2.196 0.772 2.425 -0.413 11.11 144.027 27.870 51 91193 20171 174428 -99 0.673 2.295 -0.389 13.38 172.941 22.892 41 91194 20171 174428 2.076 0.772 2.327 -0.437 9.560 145.557 27.498 50 91195 20171 174428 2.422 0.768 2.524 -0.485 14.46 138.392 29.341 55 90019 20171 174454 2.094 0.804 2.347 -0.281 9.061 148.722 26.246 45 90020 20171 174454 2.015 0.803 2.294 -0.314 9.219 150.436 25.867 44 90021 20171 174454 2.243 0.842 2.170 -0.402 11.48 133.982 27.498 52 90022 20171 174454 1.922 0.861 2.154 -0.245 9.815 156.966 23.940 36
```

\$ANALYSE 1 1 0 0

Jingdian Examples

基因组选择(Genomic selection)——GBLUP

```
$DATA ASCII (3,8,-99) phenotypes.txt
$VAR STR 1 GREL ASCII test.agiv.id fmt
$MODEL
                                                litter ADFI
                                                            ADG
                                                                  FCR
                                                                       RFI
                                                                                    AGE
                                    35772 20171 174251 2.061 0.821 2.346 -0.384 15.01 161.560 25.358 42
                                                      2.157 0.772 2.494 -0.215 8.086 149.673
                                                            0.673\ 2.295\ -0.389\ 13.38
                                                        .076 0.772 2.327 -0.437 9.560 145.557
603213
                                          20171 174428 2.422 0.768 2.524 -0.485 14.46 138.392 29.341 55
                                          20171 174454 2.094 0.804 2.347 -0.281 9.061 148.722 26.246 45
212
                                          20171 174454 2.015 0.803 2.294 -0.314 9.219 150.436 25.867 44
                                                        .243 0.842 2.170 -0.402 11.48 133.982 27.498 52
                                    90022 20171 174454 1.922 0.861 2.154 -0.245 9.815 156.966 23.940 36
                                                                   https://github.com/chaoning/GMAT
```

MWT

BWT

\$ANALYSE 1 1 0 0

Jingdian Examples

基因组选择(Genomic selection)——ssGBLUP

```
$DATA ASCII (3,8,-99) phenotypes.txt
$VAR_STR 1 PGMIX 1 ASCII pedigree.txt test.id test.agrm.id_fmt 0.05 G-ADJUST
$MODEL
                                              litter ADFI
                                                          ADG
                                                                FCR
                                                                     RFT
                                        20171 174251 2.061 0.821 2.346 -0.384 15.01 161.560 25.358 42
                                         20171 174398 2.157 0.772 2.494 -0.215 8.086 149.673 26
                                        20171 174428 2.196 0.772 2.425 -0.413 11.11 144.027
603213
                                                          0.673 2.295 -0.389 13.38 172.941 22.892 41
                                        20171 174428 2.076 0.772 2.327 -0.437 9.560 145.557 27.498 50
2 1 2
                                        20171 174428 2.422 0.768 2.524 -0.485 14.46 138.392
                                                     2.094 0.804 2.347 -0.281 9.061 148.722
                                                      .015 0.803 2.294 -0.314 9.219 150.436
```

AGE

20171 174454 2.243 0.842 2.170 -0.402 11.48 133.982 27.498 52

90022 20171 174454 1.922 0.861 2.154 -0.245 9.815 156.966 23.940 36

MWT

BWT

动物育种原理与方法

谢谢

欢迎踊跃探讨

日期: 2022.10.23