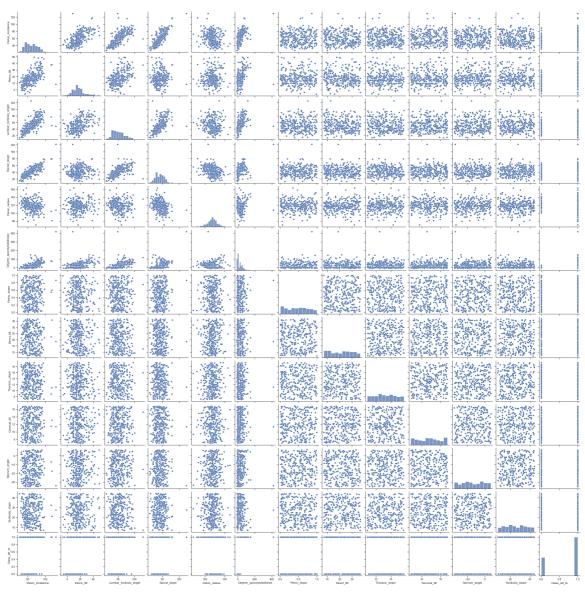
1) Поиск и выбор набора данных для построения моделей машинного обучения.

```
In [1]:
         import numpy as np
         import pandas as pd
         import seaborn as sns
         import streamlit as st
         import matplotlib.pyplot as plt
         from catboost import Pool, CatBoostClassifier
         from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler
         from sklearn.linear model import LinearRegression, LogisticRegression
         from sklearn.model selection import train test split
         from sklearn.neighbors import KNeighborsRegressor, KNeighborsClassifier
         from sklearn.metrics import accuracy_score, balanced_accuracy_score
         from sklearn.metrics import precision_score, recall_score, f1 score, cla
         from sklearn.metrics import confusion matrix
         from sklearn.model selection import train test split, learning curve
         from sklearn.metrics import plot confusion matrix
         from sklearn.model_selection import GridSearchCV
         from sklearn.metrics import mean absolute error, mean squared error, mean
         from sklearn.metrics import roc curve, roc auc score
         from sklearn.svm import SVC, NuSVC, LinearSVC, OneClassSVM, SVR, NuSVR,
         from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier, DecisionTreeRegressor,
         from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier, RandomForestRegress
         from sklearn.ensemble import ExtraTreesClassifier, ExtraTreesRegressor
         from sklearn.ensemble import GradientBoostingClassifier, GradientBoosting
         from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
         import warnings
         warnings.filterwarnings('ignore')
         %matplotlib inline
         sns.set(style="ticks")
In [2]:
        col list = ['Pelvic_incidence',
                        'Pelvic tilt',
                        'Lumbar_lordosis_angle',
                        'Sacral slope',
                        'Pelvic radius',
                        'Degree spondylolisthesis',
                        'Pelvic slope',
                        'Direct_tilt',
                        'Thoracic_slope',
                        'Cervical tilt',
                        'Sacrum_angle',
                        'Scoliosis slope',
                        'Class att',
                        'To drop']
         data = pd.read csv('Dataset spine.csv', names=col list, header=1, sep=",
         data.drop('To drop', axis=1, inplace=True)
```

2) Проведение разведочного анализа данных. Построение графиков, необходимых для понимания структуры данных. Анализ и заполнение пропусков в данных.

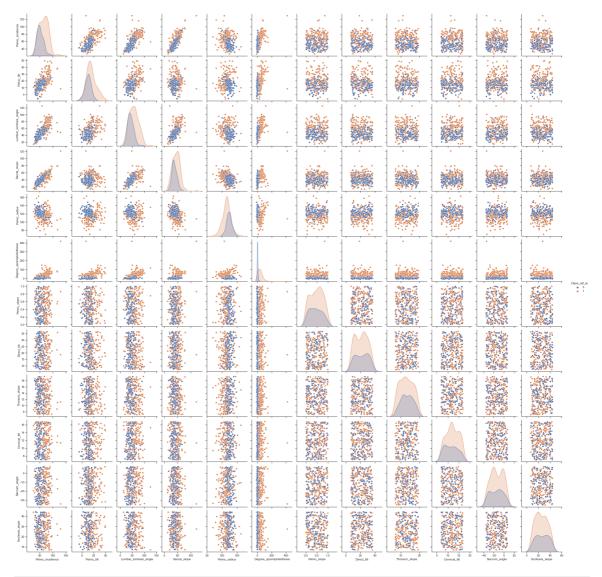
```
In [3]: data.head()
           Pelvic_incidence Pelvic_tilt Lumbar_lordosis_angle Sacral_slope Pelvic_radius Degree_
Out[3]:
         0
                 39.056951 10.060991
                                              25.015378
                                                         28.995960
                                                                     114.405425
                 68.832021 22.218482
         1
                                              50.092194
                                                         46.613539
                                                                     105.985135
         2
                 69.297008 24.652878
                                              44.311238
                                                         44.644130
                                                                     101.868495
         3
                49.712859 9.652075
                                              28.317406
                                                         40.060784
                                                                     108.168725
                40.250200 13.921907
                                              25.124950
                                                         26.328293
                                                                    130.327871
         4
In [4]:
         data.shape
         (309, 13)
Out[4]:
In [5]:
         data.columns
        Index(['Pelvic incidence', 'Pelvic tilt', 'Lumbar lordosis angle',
                'Sacral_slope', 'Pelvic_radius', 'Degree_spondylolisthesis',
                'Pelvic_slope', 'Direct_tilt', 'Thoracic_slope', 'Cervical_tilt',
                'Sacrum_angle', 'Scoliosis_slope', 'Class_att'],
               dtype='object')
In [6]:
         data.dtypes
Out[6]: Pelvic_incidence
                                     float64
        Pelvic tilt
                                    float64
        Lumbar_lordosis_angle
                                    float64
        Sacral slope
                                    float64
                                    float64
        Pelvic radius
        Degree_spondylolisthesis float64
                                    float64
        Pelvic_slope
        Direct tilt
                                    float64
                                    float64
        Thoracic_slope
        Cervical tilt
                                    float64
                                    float64
        Sacrum angle
                                    float64
        Scoliosis_slope
                                     object
        Class att
        dtype: object
In [7]:
        data.isnull().sum()
Out[7]: Pelvic_incidence
Pelvic_tilt
                                      0
                                      0
        Lumbar_lordosis_angle
        Sacral slope
                                      0
        Pelvic radius
                                      0
        Degree spondylolisthesis
                                    0
        Pelvic slope
                                     0
        Direct_tilt
                                     0
        Thoracic slope
                                     0
        Cervical_tilt
                                     0
                                     0
        Sacrum angle
        Scoliosis slope
                                     0
        Class att
        dtype: int64
```

```
In [8]: data['Class att le'] = data['Class att'].map({'Abnormal': 1, 'Normal': 0
 In [9]:
           print(data.loc[:, ['Class_att', 'Class_att_le']])
             Class_att Class_att_le
          0
              Abnormal
          1
              Abnormal
                                      1
          2
              Abnormal
                                      1
          3
              Abnormal
                                      1
              Abnormal
          4
                                      1
                   . . .
          304 Normal
                                      0
          305 Normal
                                      0
                Normal
                                      0
          306
          307
                Normal
                                      0
          308
               Normal
          [309 rows x 2 columns]
In [10]:
           data['Class att'].value counts()
          Abnormal
                      209
Out[10]:
                      100
          Normal
          Name: Class att, dtype: int64
In [11]:
           data.head()
            Pelvic_incidence Pelvic_tilt Lumbar_lordosis_angle Sacral_slope Pelvic_radius Degree_
Out[11]:
          0
                  39.056951 10.060991
                                                25.015378
                                                            28.995960
                                                                        114.405425
          1
                  68.832021 22.218482
                                                50.092194
                                                            46.613539
                                                                       105.985135
          2
                  69.297008 24.652878
                                                44.311238
                                                            44.644130
                                                                        101.868495
          3
                  49.712859
                                                            40.060784
                                                                        108.168725
                           9.652075
                                                28.317406
          4
                  40.250200 13.921907
                                                25.124950
                                                            26.328293
                                                                       130.327871
         Набор данных не содержит пропусков, категориальные пизнаки закодированы.
In [12]:
           sns.pairplot(data)
          <seaborn.axisgrid.PairGrid at 0x7ff5c5940100>
Out[12]:
```

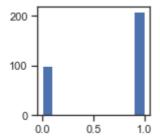


In [13]: sns.pairplot(data, hue="Class_att_le")

Out[13]: <seaborn.axisgrid.PairGrid at 0x7ff5b39ba9d0>



```
In [14]:
# Оценим дисбаланс классов для Class_att_le
fig, ax = plt.subplots(figsize=(2,2))
plt.hist(data['Class_att_le'])
plt.show()
```



```
In [15]: data['Class_att_le'].value_counts()

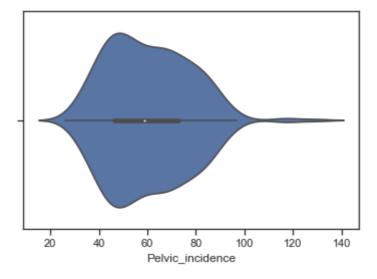
Out[15]: 1 209
0 100
Name: Class_att_le, dtype: int64

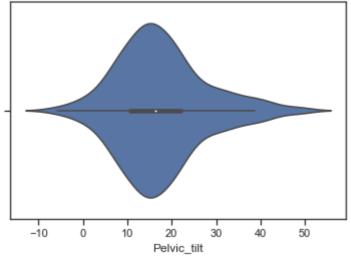
In [16]: # посчитаем дисбаланс классов
total = data.shape[0]
class_0, class_1 = data['Class_att_le'].value_counts()
print('Класс 0 составляет {}%, а класс 1 составляет {}%.'
format(round(class_0 / total, 4)*100, round(class_1 / total, 4)*1
```

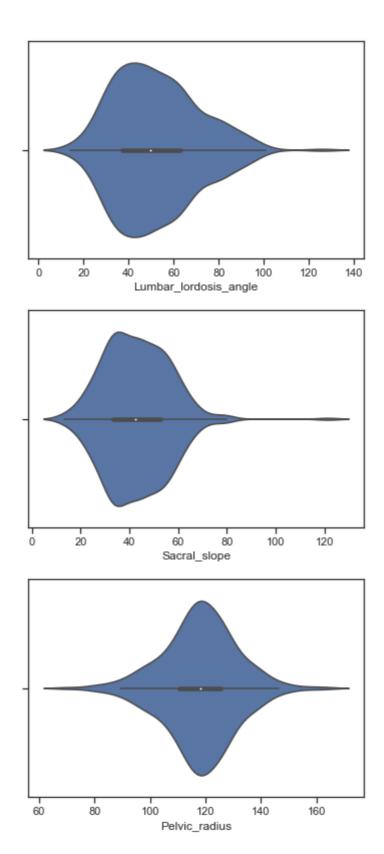
Класс 0 составляет 67.64%, а класс 1 составляет 32.36%.

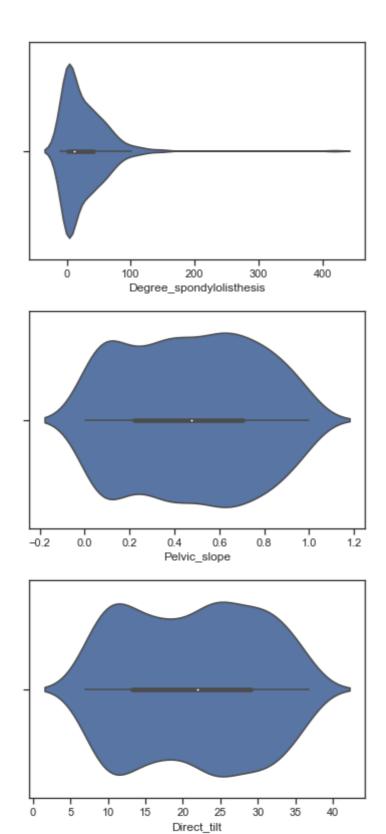
Вывод. Дисбаланс классов присутствует, но является приемлемым.

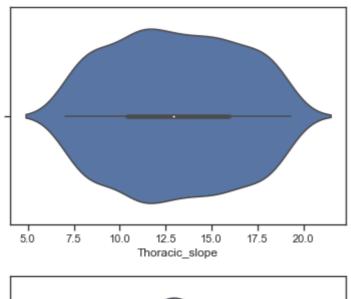
In [17]:

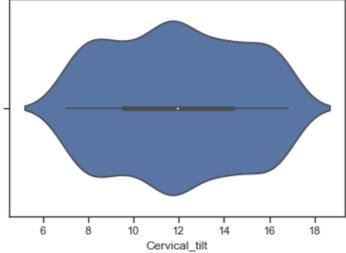


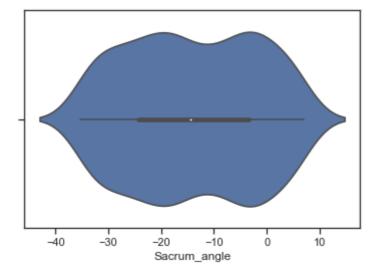


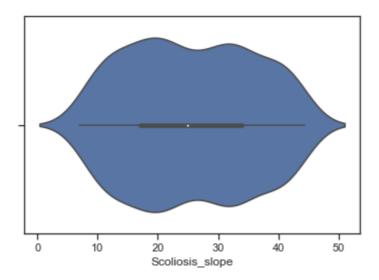












3) Выбор признаков, подходящих для построения моделей. Кодирование категориальных признаков. Масштабирование данных. Формирование вспомогательных признаков, улучшающих качество моделей.

Для построения моделей будем использовать все признаки. Категориальные признаки закодированы.Выполним масштабирование данных.

```
In [18]:
           # Числовые колонки для масштабирования
           scale cols = ['Pelvic incidence',
                           'Pelvic tilt',
                           'Lumbar_lordosis_angle',
                           'Sacral slope',
                           'Pelvic radius',
                           'Degree_spondylolisthesis',
                           'Pelvic slope',
                           'Direct tilt',
                           'Thoracic slope',
                           'Cervical tilt',
                           'Sacrum angle',
                           'Scoliosis slope']
In [19]:
           sc1 = MinMaxScaler()
           sc1 data = sc1.fit transform(data[scale cols])
In [20]:
           # Добавим масштабированные данные в набор данных
           for i in range(len(scale cols)):
               col = scale cols[i]
               new col name = col + ' scaled'
               data[new col name] = sc1 data[:,i]
In [21]:
           data.head()
             Pelvic_incidence Pelvic_tilt Lumbar_lordosis_angle Sacral_slope Pelvic_radius Degree_
Out[21]:
          0
                  39.056951 10.060991
                                                25.015378
                                                            28.995960
                                                                        114.405425
                  68.832021 22.218482
                                                            46.613539
                                                                        105.985135
                                                50.092194
```

2	69.297008	24.652878	44.311238	44.644130	101.868495
3	49.712859	9.652075	28.317406	40.060784	108.168725
4	40.250200	13.921907	25.124950	26.328293	130.327871

5 rows × 26 columns

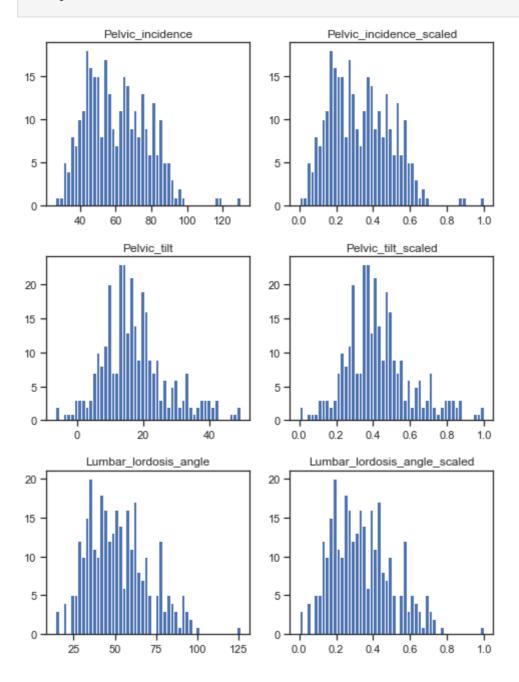
```
In [22]:

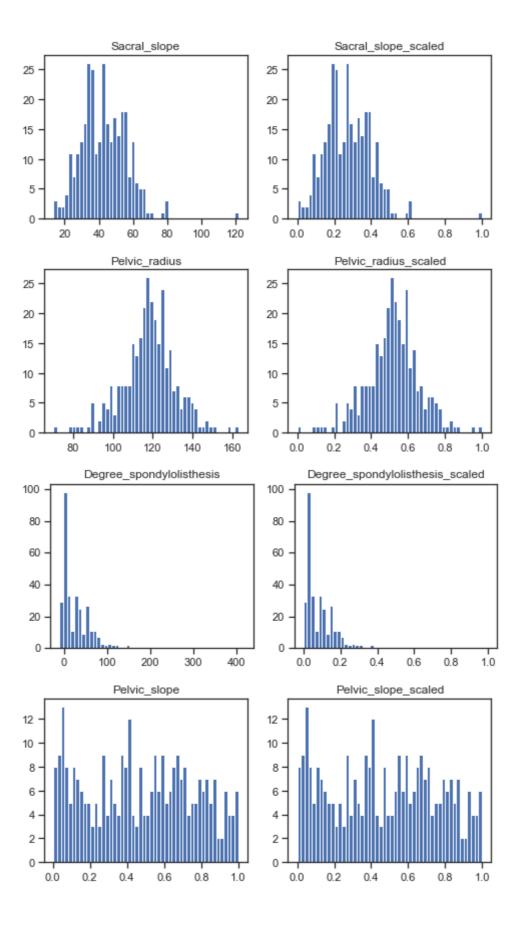
# Проверим, что масштабирование не повлияло на распределение данных

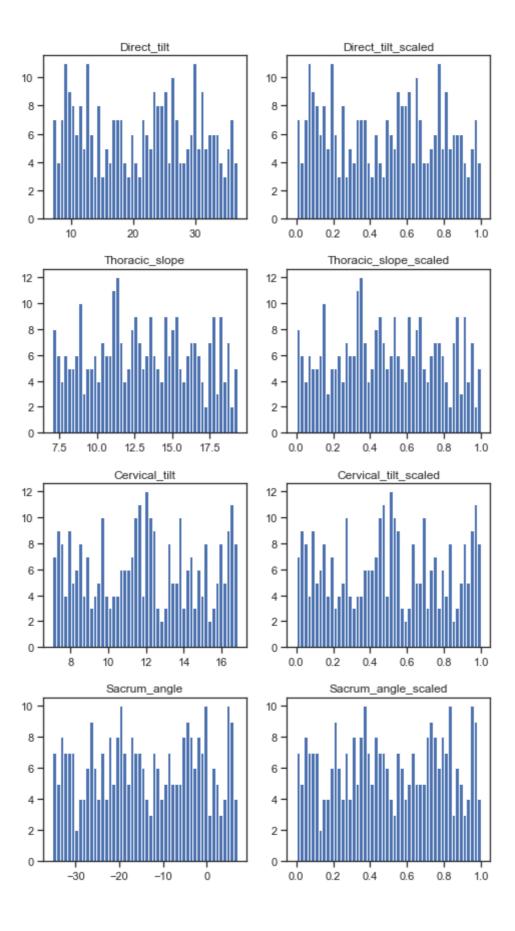
for col in scale_cols:
    col_scaled = col + '_scaled'

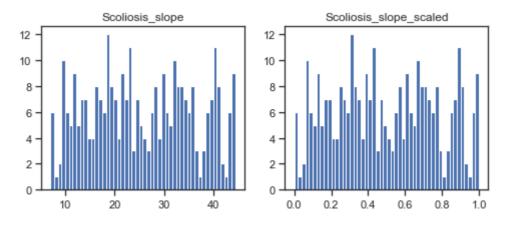
fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(8,3))
```

```
rig, ax = pit.subplots(1, 2, rigsize=(8,3))
ax[0].hist(data[col], 50)
ax[1].hist(data[col_scaled], 50)
ax[0].title.set_text(col)
ax[1].title.set_text(col_scaled)
plt.show()
```



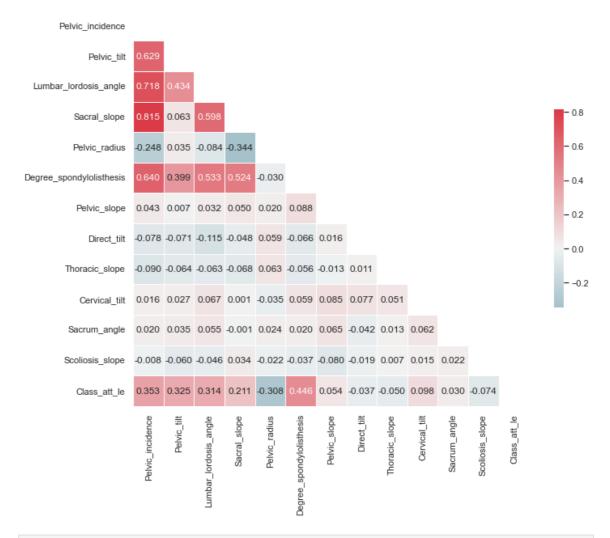


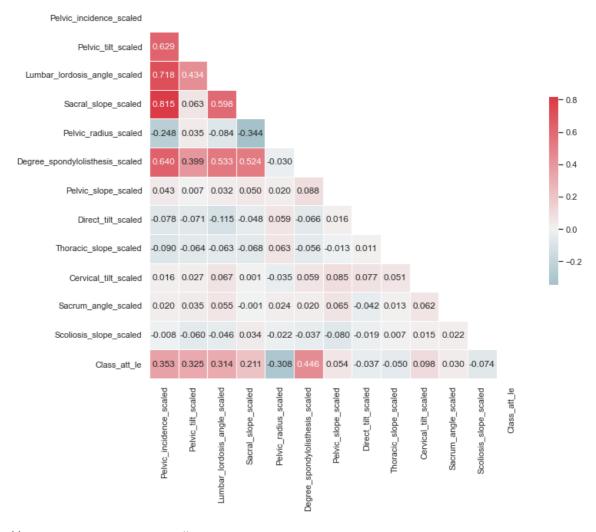




4) Проведение корреляционного анализа данных. Формирование промежуточных выводов о возможности построения моделей машинного обучения.

```
In [23]:
          corr cols 1 = scale cols + ['Class att le']
          corr cols 1
          ['Pelvic incidence',
Out[23]:
           'Pelvic_tilt',
          'Lumbar_lordosis_angle',
          'Sacral slope',
          'Pelvic radius',
           'Degree spondylolisthesis',
           'Pelvic slope',
           'Direct_tilt',
          'Thoracic_slope',
           'Cervical tilt',
           'Sacrum_angle',
           'Scoliosis_slope',
           'Class att le']
In [24]:
          scale_cols_postfix = [x+'_scaled' for x in scale_cols]
          corr_cols_2 = scale_cols_postfix + ['Class_att_le']
          corr cols 2
          ['Pelvic incidence scaled',
Out[24]:
          'Pelvic_tilt_scaled',
           'Lumbar_lordosis_angle_scaled',
           'Sacral slope scaled',
           'Pelvic_radius_scaled',
           'Degree spondylolisthesis scaled',
           'Pelvic slope scaled',
           'Direct tilt scaled',
           'Thoracic_slope_scaled',
           'Cervical_tilt_scaled',
           'Sacrum angle scaled',
           'Scoliosis_slope_scaled',
           'Class att le']
In [25]:
          sns.set(style="white")
          corr = data[corr_cols_1].corr()
          mask = np.zeros like(corr, dtype=np.bool)
          mask[np.triu indices from(mask)] = True
          f, ax = plt.subplots(figsize=(11, 9))
          cmap = sns.diverging palette(220, 10, as cmap=True)
```





На основе корреляционной матрицы можно сделать следующие выводы:

- Корреляционные матрицы для исходных и масштабированных данных совпадают.
- Целевой признак классификации "Class_att_le" наиболее сильно коррелирует со следующими признаками:
 - 1. "Degree spondylolisthesis" (0.446);
 - 2. "Pelvic_incidence" (0.353);
 - 3. "Pelvic_tilt" (0.325)
 - 4. "Lumbar_lordosis_angle" (0.314) Эти признаки следует оставить в модели классификации.
- Признаки "Pelvic_incidence" и "Sacral_slope" имеют большую корреляцию, поэтому оба признака не следует включать в модель. Будем использовать признак "Pelvic incidence".
- На основании корреляционной матрицы можно сделать вывод о том, что данные позволяют построить модель машинного обучения.

5) Выбор метрик для последующей оценки качества моделей

В качестве метрик для решения задачи классификации будем использовать:

- Precision доля верно предсказанных классификатором положительных объектов, из всех объектов, которые классификатор верно или неверно определил как положительные.
- Recall доля верно предсказанных классификатором положительных объектов, из всех действительно положительных объектов.
- F1- мера для объединения precision и recall в единую метрику
- ROC AUC. Основана на вычислении следующих характеристик:
 - True Positive Rate, откладывается по оси ординат. Совпадает с recall.
 - False Positive Rate, откладывается по оси абсцисс. Показывает какую долю
 из объектов отрицательного класса алгоритм предсказал неверно.

```
In [27]:
          # Отрисовка ROC-кривой
          def draw_roc_curve(y_true, y_score, pos_label=1, average='micro'):
              fpr, tpr, thresholds = roc_curve(y_true, y_score,
                                               pos label=pos label)
              roc_auc_value = roc_auc_score(y_true, y_score, average=average)
              plt.figure()
              lw = 2
              plt.plot(fpr, tpr, color='darkturquoise',
                       lw=lw, label='ROC curve (area = %0.2f)' % roc auc value)
              plt.plot([0, 1], [0, 1], color='navy', lw=lw, linestyle='--')
              plt.xlim([0.0, 1.0])
              plt.ylim([0.0, 1.05])
              plt.xlabel('False Positive Rate')
              plt.ylabel('True Positive Rate')
              plt.title('Receiver operating characteristic')
              plt.legend(loc="lower right")
              plt.show()
In [28]:
          class MetricLogger:
              def init (self):
                  self.df = pd.DataFrame(
                      {'metric': pd.Series([], dtype='str'),
                      'alg': pd.Series([], dtype='str'),
                      'value': pd.Series([], dtype='float')})
              def add(self, metric, alg, value):
                  Добавление значения
                  # Удаление значения если оно уже было ранее добавлено
                  self.df.drop(self.df[(self.df['metric']==metric)&(self.df['alg'])
                  # Добавление нового значения
                  temp = [{'metric':metric, 'alg':alg, 'value':value}]
                  self.df = self.df.append(temp, ignore index=True)
              def get data for metric(self, metric, ascending=True):
                  Формирование данных с фильтром по метрике
                  temp data = self.df[self.df['metric'] == metric]
                  temp data 2 = temp data.sort values(by='value', ascending=ascend
                  return temp data 2['alg'].values, temp data 2['value'].values
              def plot(self, str header, metric, ascending=True, figsize=(5, 5)):
```

6) Выбор наиболее подходящих моделей для решения задачи классификации

Для задачи классификации будем использовать следующие модели:

- Логистическая регрессия
- Метод ближайших соседей
- Машина опорных векторов
- Решающее дерево
- Случайный лес
- Градиентный бустинг

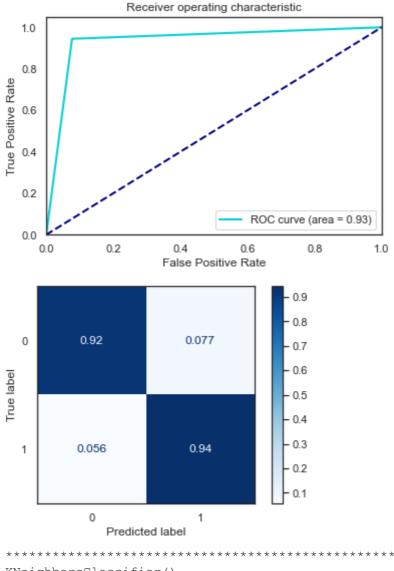
7) Формирование обучающей и тестовой выборок на основе исходного набора данных.

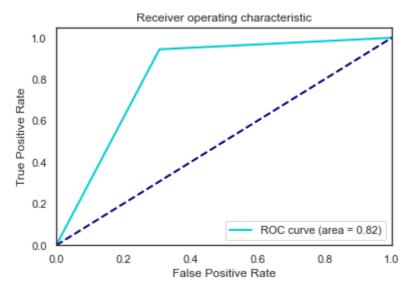
```
In [29]:
          # Признаки для задачи классификации
          class cols = ['Pelvic incidence',
                         'Pelvic tilt',
                         'Lumbar lordosis angle',
                         'Degree spondylolisthesis',
In [30]:
          X = data[class cols]
          Y = data['Class att le']
          X.shape
          (309, 4)
Out[301:
In [31]:
          # С использованием метода train test split разделим выборку на обучающую
          X train, X test, Y train, Y test = train test split(X, Y, test size=0.1,
In [32]:
          X train.shape, X test.shape, Y train.shape, Y test.shape
Out[32]: ((278, 4), (31, 4), (278,), (31,))
```

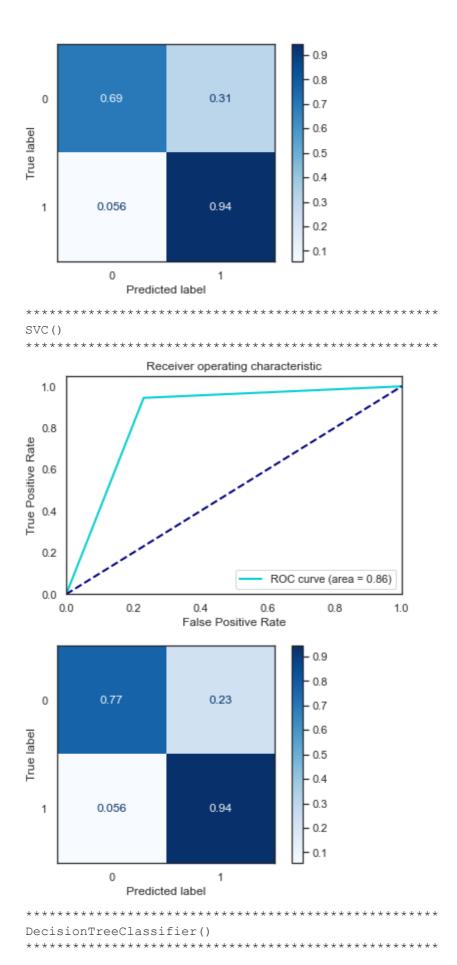
8) Построение базового решения (baseline) для выбранных моделей без подбора гиперпараметров. Производится

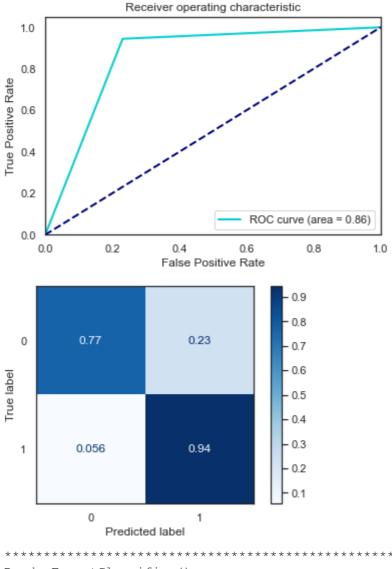
обучение моделей на основе обучающей выборки и оценка качества моделей на основе тестовой выборки.

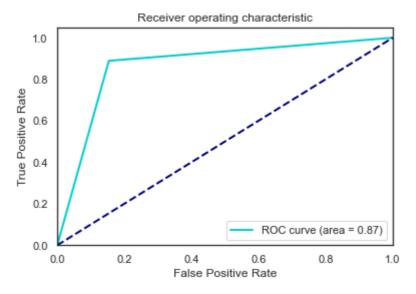
```
In [33]:
        # Модели
        clas models = {'LogR': LogisticRegression(),
                     'KNN 5':KNeighborsClassifier(n neighbors=5),
                     'SVC':SVC(),
                     'Tree': DecisionTreeClassifier(),
                     'RF':RandomForestClassifier(),
                     'GB':GradientBoostingClassifier() }
In [34]:
        # Сохранение метрик
        clasMetricLogger = MetricLogger()
In [35]:
        def train model(model name, model, MetricLogger):
            model.fit(X train, Y train)
            Y pred = model.predict(X test)
            precision = precision score(Y test.values, Y pred)
            recall = recall_score(Y_test.values, Y_pred)
            f1 = f1_score(Y_test.values, Y_pred)
            roc_auc = roc_auc_score(Y_test.values, Y_pred)
            MetricLogger.add('precision', model name, precision)
            MetricLogger.add('recall', model name, recall)
            MetricLogger.add('f1', model name, f1)
            MetricLogger.add('roc_auc', model_name, roc_auc)
            print(model)
            draw roc curve(Y test.values, Y pred)
            plot confusion matrix (model, X test, Y test.values,
                          display labels=['0','1'],
                           cmap=plt.cm.Blues, normalize='true')
            plt.show()
In [36]:
        for model name, model in clas models.items():
            train model(model name, model, clasMetricLogger)
        ***********
        LogisticRegression()
        ************
```

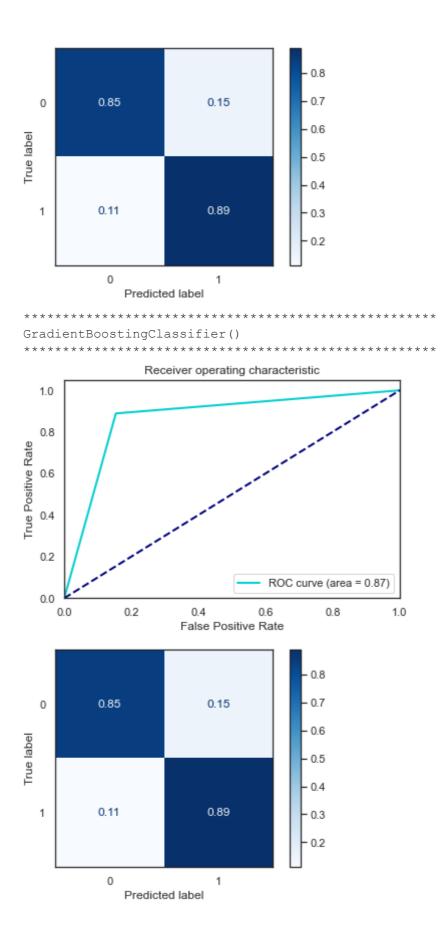












9) Подбор гиперпараметров для выбранных моделей.

Метод ближайших соседей

```
In [37]:
    n_range = np.array(range(1,100,1))
    tuned_parameters = [{'n_neighbors': n_range}]
    tuned_parameters
```

```
[{'n neighbors': array([ 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 1
Out[371:
         3, 14, 15, 16, 17,
                  18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33,
         34,
                  35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50,
         51,
                  52, 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67,
         68,
                  69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84,
         85,
                  86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99])}]
In [38]:
          gs KNN = GridSearchCV(KNeighborsClassifier(), tuned parameters, cv=5, sc
          gs KNN.fit(X train, Y train)
         GridSearchCV(cv=5, estimator=KNeighborsClassifier(),
Out[38]:
                       param grid=[{'n neighbors': array([ 1,  2,  3,  4,  5,  6,
         7,
             8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17,
                 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 3
         4,
                 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50, 5
         1,
                 52, 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 6
         8,
                 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 8
         5,
                 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99])}],
                       scoring='roc auc')
In [39]:
          # Лучшая модель
          gs KNN.best estimator
         KNeighborsClassifier(n neighbors=19)
Out[391:
In [40]:
          # Лучшее значение параметров
          gs KNN.best params
          {'n neighbors': 19}
Out[40]:
In [41]:
          plt.plot(n range, gs KNN.cv results ['mean test score'])
          [<matplotlib.lines.Line2D at 0x7ff5a572f310>]
Out[41]:
          0.900
          0.875
          0.850
          0.825
          0.800
          0.775
          0.750
                0
                       20
                                40
                                        60
                                                80
                                                        100
```

Логистическая регрессия

grid={"C":np.logspace(-3,3,3)}

In [42]:

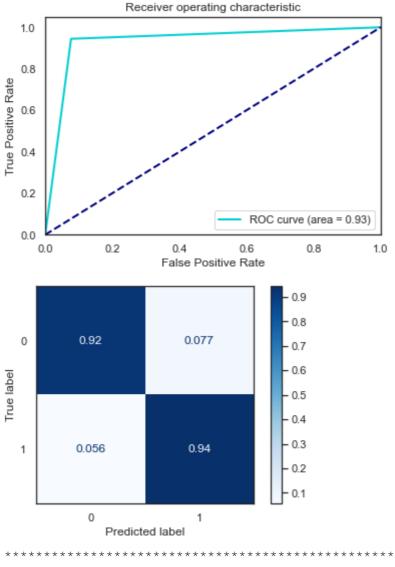
```
gs LogR.fit(X train, Y train)
         GridSearchCV(cv=5, estimator=LogisticRegression(),
Out[42]:
                       param grid={'C': array([1.e-03, 1.e+00, 1.e+03])},
                       scoring='roc auc')
In [43]:
           # Лучшая модель
          gs LogR.best estimator
         LogisticRegression()
Out[43]:
In [44]:
           # Лучшее значение параметров
          gs_LogR.best_params_
          {'C': 1.0}
Out[44]:
In [45]:
           # Изменение качества на тестовой выборке
          plt.plot(np.logspace(-3,3,3), gs LogR.cv results ['mean test score'])
          [<matplotlib.lines.Line2D at 0x7ff5a578f5e0>]
Out[45]:
          0.895
          0.894
          0.893
          0.892
          0.891
          0.890
          0.889
          0.888
          0.887
                        200
                                400
                                        600
                                                800
                                                        1000
         Машина опорных векторов
In [46]:
          SVC grid={"C":np.logspace(-3,5,12)}
          gs SVC = GridSearchCV(SVC(), SVC grid, cv=5, scoring='roc auc')
          gs_SVC.fit(X_train, Y_train)
         GridSearchCV(cv=5, estimator=SVC(),
Out[46]:
                       param grid={'C': array([1.0000000e-03, 5.33669923e-03, 2.84
         803587e-02, 1.51991108e-01,
                 8.11130831e-01, 4.32876128e+00, 2.31012970e+01, 1.23284674e+02,
                 6.57933225e+02, 3.51119173e+03, 1.87381742e+04, 1.00000000e+05])},
                       scoring='roc auc')
In [47]:
           # Лучшая модель
          gs SVC.best_estimator_
```

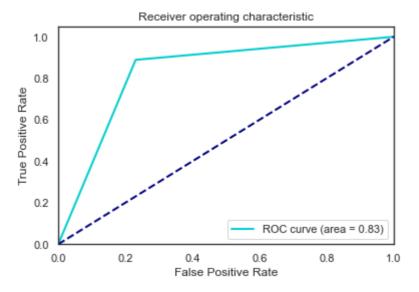
gs LogR = GridSearchCV(LogisticRegression(), grid, cv=5, scoring='roc au

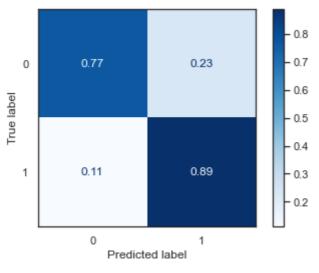
```
SVC (C=4.328761281083062)
Out[47]:
In [48]:
           # Лучшее значение параметров
          gs SVC.best params
          {'C': 4.328761281083062}
Out[48]:
In [49]:
          # Изменение качества на тестовой выборке
          plt.plot(np.logspace(-3,4,12), gs SVC.cv results ['mean test score'])
          [<matplotlib.lines.Line2D at 0x7ff5a580cf70>]
Out[49]:
          0.90
          0.89
          0.88
          0.87
          0.86
          0.85
          0.84
                      2000
                               4000
                                       6000
                                               8000
                                                       10000
         Решающее дерево
In [50]:
          tree params={"max depth":range(1,20), "max features":range(1,5)}
          gs_Tree = GridSearchCV(DecisionTreeClassifier(), tree_params, cv=5, scor
          gs Tree.fit(X train, Y train)
         GridSearchCV(cv=5, estimator=DecisionTreeClassifier(),
Out[50]:
                       param_grid={'max_depth': range(1, 20),
                                    'max features': range(1, 5)},
                       scoring='precision')
In [51]:
           # Лучшая модель
          gs_Tree.best_estimator_
          DecisionTreeClassifier(max depth=1, max features=4)
Out[51]:
In [52]:
          # Лучшее значение параметров
          gs_Tree.best_params_
          {'max depth': 1, 'max features': 4}
Out[52]:
         Случайный лес
In [53]:
          RF params={"max leaf nodes":range(2,12), "max samples":range(2,22)}
          gs RF = GridSearchCV(RandomForestClassifier(), RF params, cv=5, scoring=
          gs RF.fit(X train, Y train)
         GridSearchCV(cv=5, estimator=RandomForestClassifier(),
```

```
Out[53]:
                      param grid={'max leaf nodes': range(2, 12),
                                   'max samples': range(2, 22)},
                       scoring='roc auc')
In [54]:
          # Лучшая модель
          gs RF.best estimator
         RandomForestClassifier(max_leaf_nodes=7, max samples=21)
Out[54]:
In [55]:
          # Лучшее значение параметров
          gs RF.best params
         {'max leaf nodes': 7, 'max samples': 21}
Out[551:
         Градиентный бустинг
In [56]:
          GB params={"max features":range(1,4), "max leaf nodes":range(2,22)}
          gs GB = GridSearchCV(GradientBoostingClassifier(), GB params, cv=5, scor
          gs_GB.fit(X_train, Y_train)
         GridSearchCV(cv=5, estimator=GradientBoostingClassifier(),
Out[56]:
                      param grid={'max features': range(1, 4),
                                   'max leaf nodes': range(2, 22)},
                       scoring='f1')
In [57]:
          # Лучшая модель
          gs GB.best estimator
         GradientBoostingClassifier(max_features=1, max_leaf_nodes=4)
Out[57]:
In [58]:
          # Лучшее значение параметров
          gs_GB.best_params_
         {'max features': 1, 'max leaf nodes': 4}
Out[58]:
```

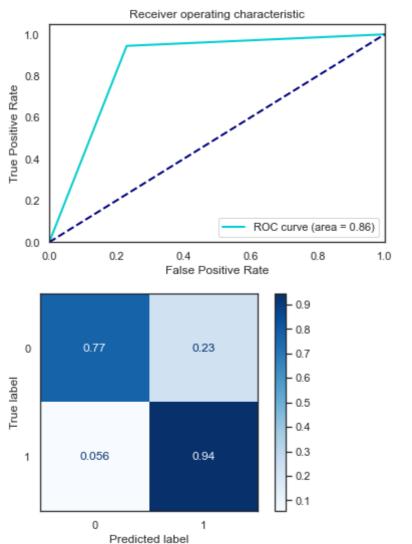
10) Повторение пункта 8 для найденных оптимальных значений гиперпараметров. Сравнение качества полученных моделей с качеством baseline-моделей.



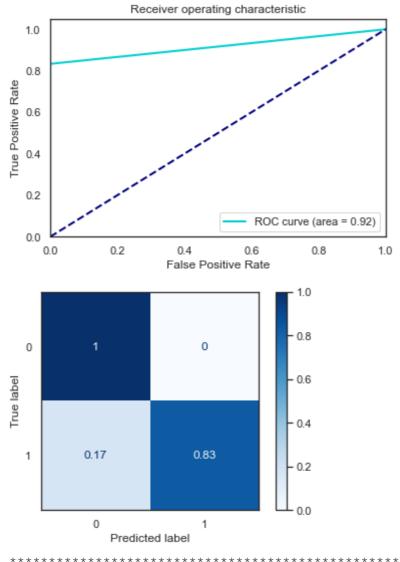




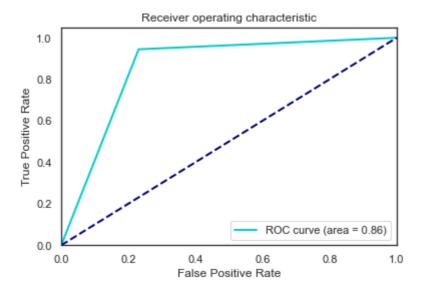
SVC (C=4.328761281083062)

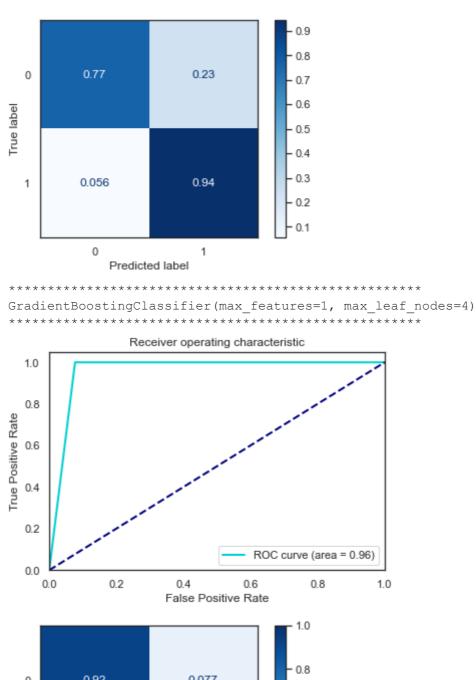


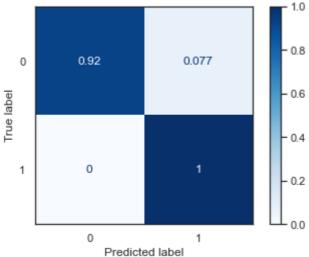
DecisionTreeClassifier(max depth=1, max features=4)



RandomForestClassifier(max_leaf_nodes=7, max_samples=21)

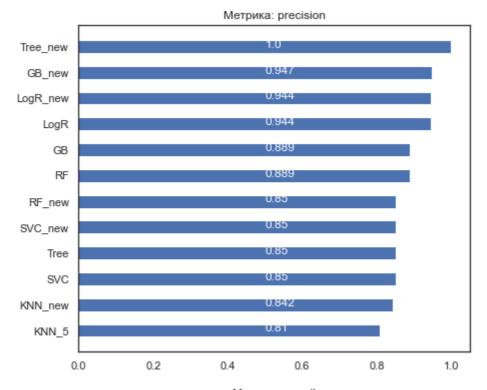


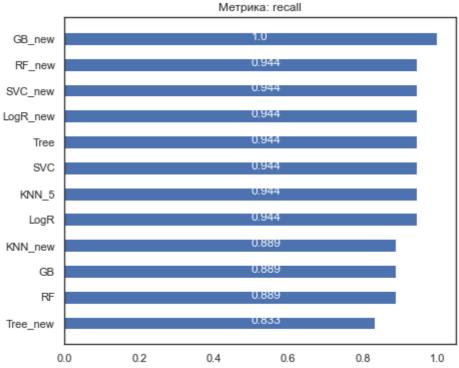


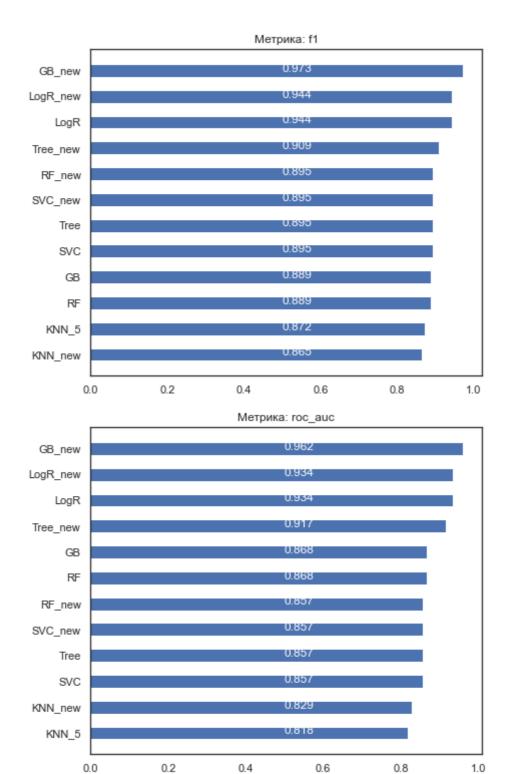


11) Формирование выводов о качестве построенных моделей на основе выбранных метрик.

```
In [61]:
    # Метрики качества модели
    clas_metrics = clasMetricLogger.df['metric'].unique()
    clas_metrics
```







Вывод: на основании трех метрик из четырех, лучшими моделями оказались случайный лес и логистическая регрессия.