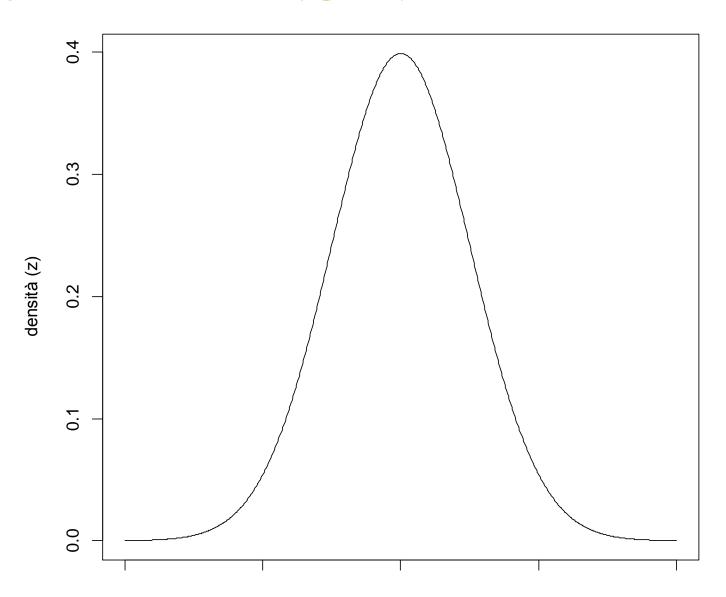


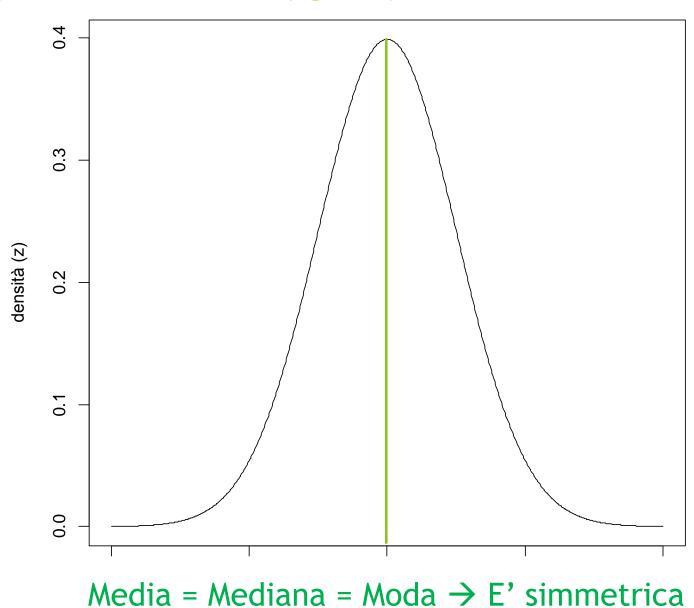
LABORATORIO DI PROBABILITA' E STATISTICA

Docente: Bruno Gobbi

8 - VARIABILI CASUALI CONTINUE



La variabile aleatoria Normale rappresenta la distribuzione di probabilità più usata in ambito statistico, perché molti fenomeni nella realtà si distribuiscono secondo una tipica forma a campana, con la maggioranza della popolazione concentrata nel mezzo con dei valori che scendono gradualmente man mano che andiamo verso gli estremi a sinistra e a destra.



Funzione di densità della v.a. Normale:

$$f(x) = \frac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}}e^{-\frac{1}{2}\left(\frac{x-\mu}{\sigma}\right)^2}, \ \forall x \in \mathbb{R}$$

I momenti della variabile normale sono:

- Media: $\mu = M(x)$
- ► Varianza: $\sigma^2 = V(x)$
- Scarto quadratico medio: $\sigma = E(x)$

In R si definiscono quattro funzioni per la variabile normale:

- dnorm() calcola la densità di probabilità
- pnorm() è la funzione di probabilità cumulata
- qnorm() è l'inversa della probabilità cumulata
- rnorm() per creare dei valori random generati da una variabile aleatoria normale

ESEMPIO DI VARIABILE NORMALE

Proviamo a disegnare la distribuzione di probabilità dell'altezza media delle donne italiane. Sappiamo che l'altezza media delle donne intorno ai 20 anni del bel Paese è di 168 cm e che la variabilità ha uno scarto quadratico medio di 12 cm.

ESEMPIO DI VARIABILE NORMALE

- Media: $\mu = 168$
- Scarto quadratico medio: $\sigma = 12$

$$f(x) = \frac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}}e^{-\frac{1}{2}\left(\frac{x-\mu}{\sigma}\right)^2}$$

LA FUNZIONE dnorm(x, μ , σ)

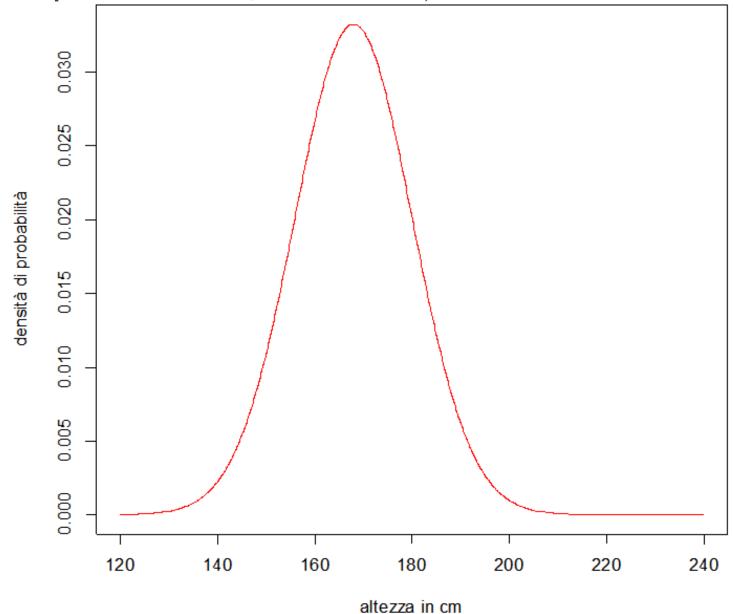
CREO INNANZITUTTO UN ASSE DELLE X SUFFICIENTEMENTE GRANDE PER CONTENERE TUTTE LE ALTEZZE, QUINDI DA 120 A 240 CM

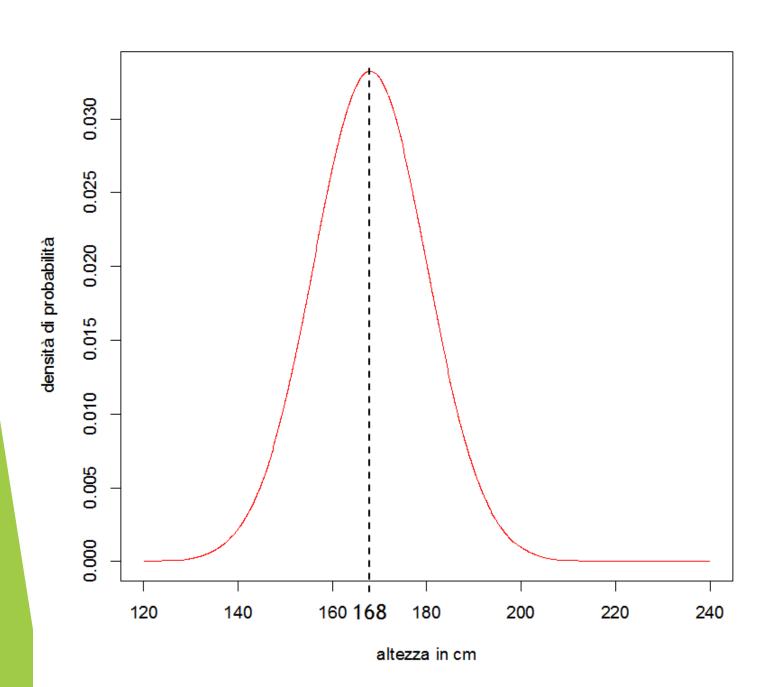
> x = seq(120, 240, by = 0.01)

CREO LA DISTRIBUZIONE NORMALE
DELL'ALTEZZA DELLE DONNE ITALIANE CON
LA FUNZIONE dnorm

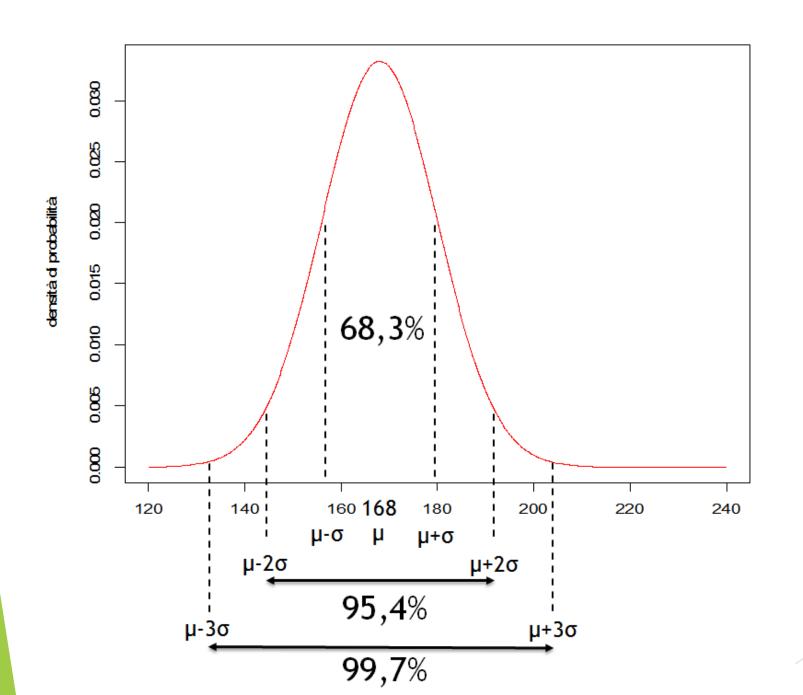
> donne=dnorm(x, 168, 12) # dnorm(x, μ , σ)

> plot(x, donne, type = "l", xlab="altezza in cm", ylab =
"densità di probabilità", col="red")





NELLA V.A. NORMALE LA PUNTA MASSIMA SI RAGGIUNGE IN **CORRISPONDENZA DELLA** MEDIA, IN QUESTO CASO 168 CM. QUESTO SIGNIFICA CHE PIU' DEL 3% DELLE DONNE ITALIANE HA UN'ALTEZZA DI 168,00 CM. MAN MANO CHE CI SPOSTIAMO A DESTRA O SINISTRA CI SONO I CASI DI DONNE PIU' O MENO ALTE, FINO AD ARRIVARE A 140 E 200 CM. OLTRE QUESTI ESTREMI CI SONO POCHISSIMI CASI.



IL 68,3% DEL TOTALE DI VALORI SI TROVA NELL'INTERVALLO:

$$\mu$$
- $\sigma \le x \le \mu$ + σ

$$(168-12) \le x \le (168+12)$$

IL 95,4% DEL TOTALE DI VALORI SI TROVA NELL'INTERVALLO:

$$\mu$$
-2 σ \leq x \leq μ +2 σ

$$(168-2*12) \le x \le (168+2*12)$$

IL 99,7% DEL TOTALE DI VALORI SI TROVA NELL'INTERVALLO:

$$\mu$$
-3 σ \leq x \leq μ +3 σ

$$(168-3*12) \le x \le (168+3*12)$$

ESEMPIO DI VARIABILE NORMALE

Se volessimo aggiungere il dato sull'altezza relativo agli uomini, possiamo farlo sapendo che l'altezza media è di 178 cm con una variabilità di 15.

LA FUNZIONE dnorm(x, μ , σ)

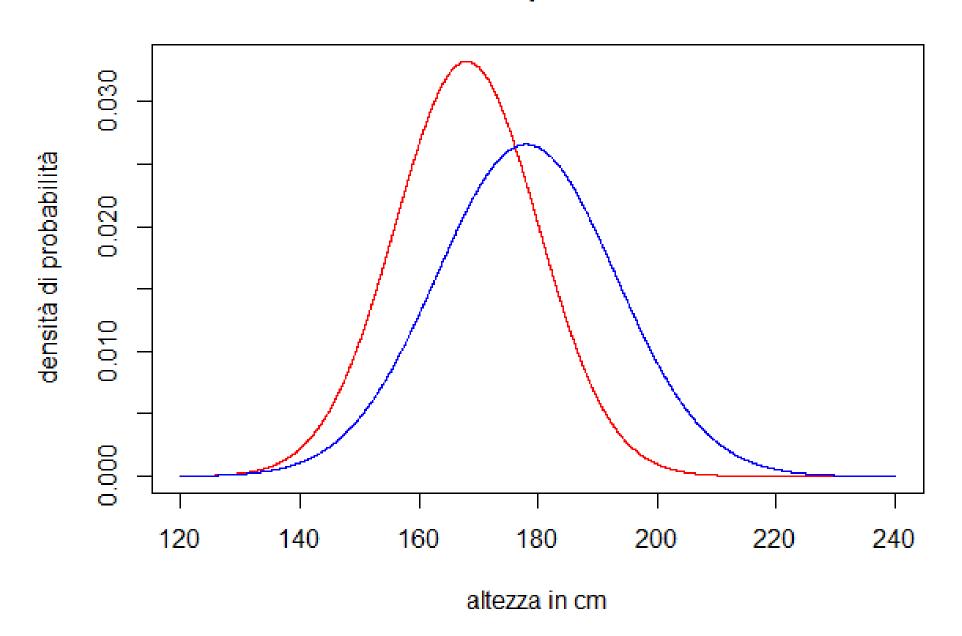
DISTRIBUZIONE NORMALE DELL'ALTEZZA DEGLI UOMINI ITALIANI

> uomini=dnorm(x, 178, 15)

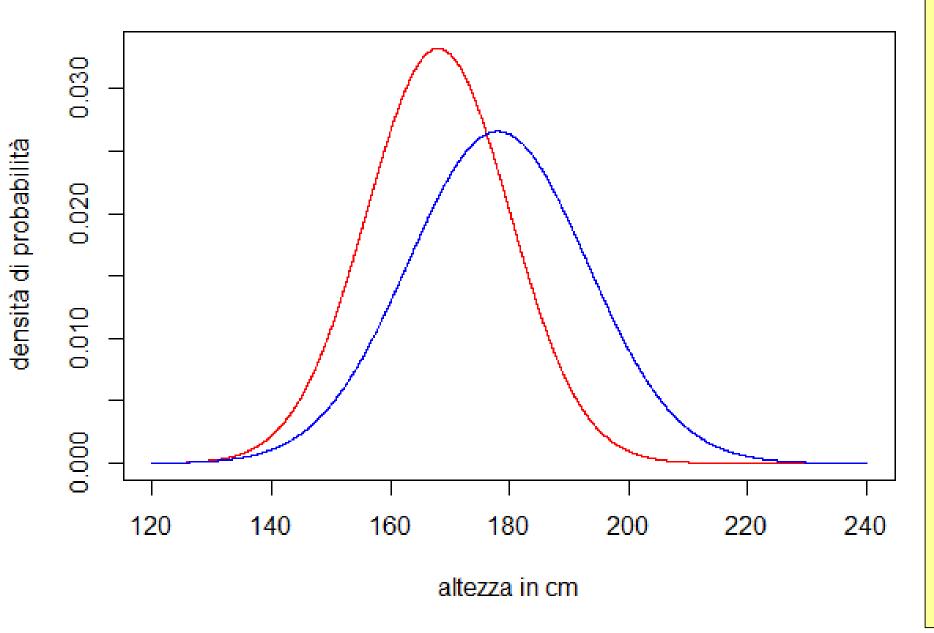
CREO IL GRAFICO E AGGIUNGO UN TITOLO

- >lines(x, uomini, col = "blue")
- > title(main="Distribuzione dell'altezza per Donne e Uomini italiani")

Distribuzione dell'altezza per Donne e Uomini italiani



Distribuzione dell'altezza per Donne e Uomini italiani



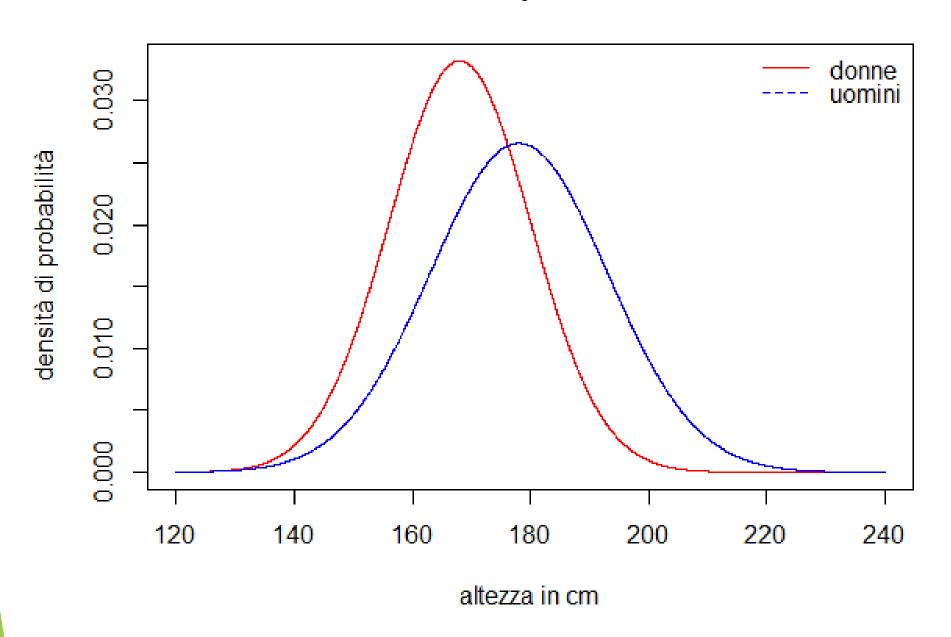
CONFRONTANDO FRA DI LORO LE DISTRIBUZIONI NORMALI DI DONNE E UOMINI, SI PUO' NOTARE COME LA CURVA DEGLI UOMINI SIA PIU' BASSA. QUESTO SUCCEDE PERCHE' HA UNA MAGGIORE VARIABILITA' (INFATTI HA σ DI 15 INVECE CHE DI 12) E CIO' COMPORTA CHE PER GLI UOMINI CI SIANO PIU' CASI ESTREMI, SIA VERSO IL BASSO CHE VERSO L'ALTO. LE FEMMINE CIOE' HANNO UN'ALTEZZA PIU' "REGOLARE", PIU' INTORNO ALLA MEDIA, MENTRE GLI **UOMINI HANNO UN'ALTEZZA** MEDIA SUPERIORE, MA CI SONO PIU' CASI DI UOMINI MOLTO BASSI O MOLTO ALTI RISPETTO ALLE DONNE.

PER AGGIUNGERE UNA LEGENDA

```
> legend("topright", c("donne", "uomini"), cex = 1,
bty = "n", col=c("red", "blue"), lty=1:2)
```

legend(posizione, etichette, font, bordo, colore, stile linee)

Distribuzione dell'altezza per Donne e Uomini italiani



Si supponga che il livello di glucosio nella popolazione italiana sia in media di 100 mg/ml con una deviazione standard di 20 mg/ml. (si consiglia di usare un asse delle x da 0 a 200)

CREO INNANZITUTTO L'ASSE DELLE X

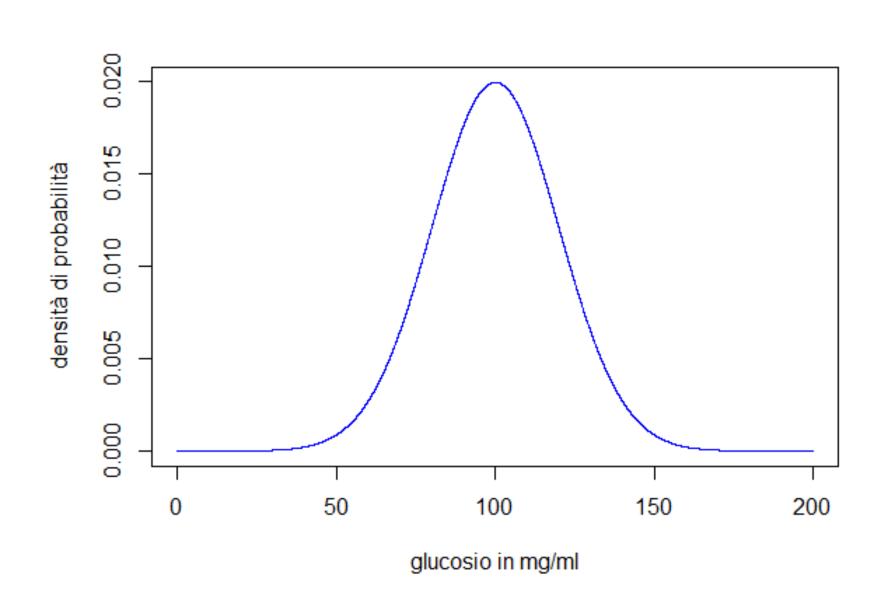
> x = seq(0, 200, by = 0.01)

CREO LA DISTRIBUZIONE NORMALE

> glucosio=dnorm(x, 100, 20)

CREO IL GRAFICO

> plot(x, glucosio, type = "l", xlab="glucosio in mg/ml", ylab = "densità di probabilità", col="blue")



Proviamo ad aggiungere il livello di glucosio dei tedeschi, che si distribuisce normalmente con media 110 e deviazione standard 25.

Aggiungiamo anche una legenda per distinguere le due nazionalità.

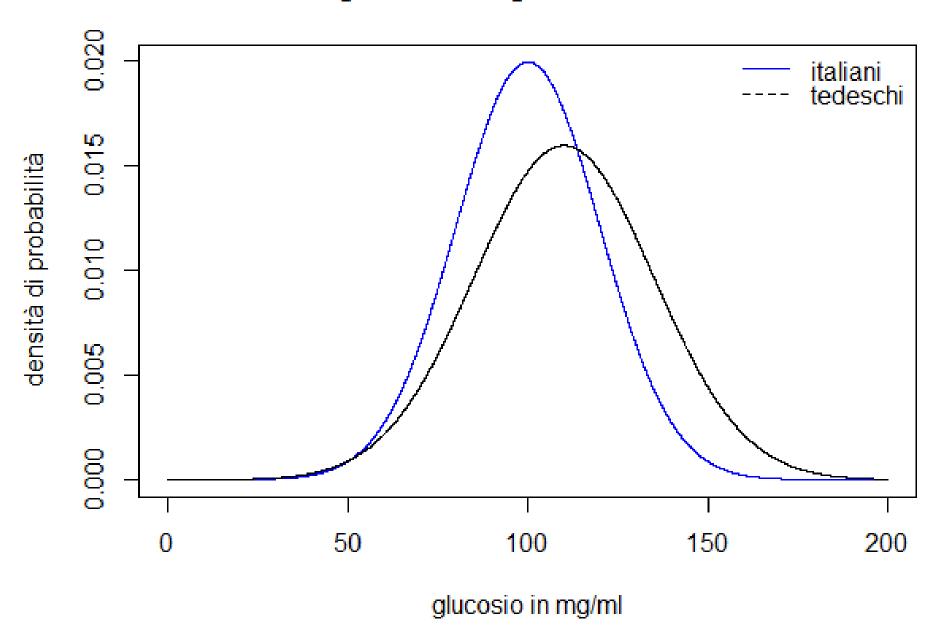
CREO LA DISTRIBUZIONE NORMALE PER I TEDESCHI

> glucosioted=dnorm(x, 110, 25)

CREO IL GRAFICO CON LA LEGENDA

- > lines(x, glucosioted, col = "black")
- > title(main="Livello di glucosio negli italiani e nei tedeschi")
- > legend("topright", c("italiani", "tedeschi"), cex =
 1, bty = "n", col=c("blue", "black"), lty=1:2)

Livello di glucosio negli italiani e nei tedeschi



LA FUNZIONE pnorm

Con la funzione pnorm() otteniamo la curva della probabilità cumulativa della normale. La sintassi è uguale a quella di dnorm(), ma invece dell'altezza della curva ora calcoliamo l'area relativa (l'area totale = 1) sotto la curva dal valore dato di X fino a + infinito o - infinito. Di default R si basa sulla "coda" inferiore, ossia l'area da meno infinito a X. Settando lower.tail = FALSE si usa in la coda superiore. (N.B.: quando X è la media la probabilità di osservare un valore pari o minore a X è sempre 0.5 perché la distribuzione è simmetrica.)

ESEMPIO TARTARUGA GALAPAGOS

La lunghezza di una specie di tartaruga gigante delle Galapagos è risultata distribuirsi come una normale con media pari a 60 cm e deviazione standard di 20 cm. Costruire il grafico e calcolare:

- probabilità fino a 50 cm
- probabilità di tartarughe > 50 cm
- probabilità fra 30 e 90 cm
- quale valore include il 70% delle tartarughe?

ESEMPIO TARTARUGA GALAPAGOS

CREO INNANZITUTTO L'ASSE DELLE X

> x = seq(0, 120, 0.01)

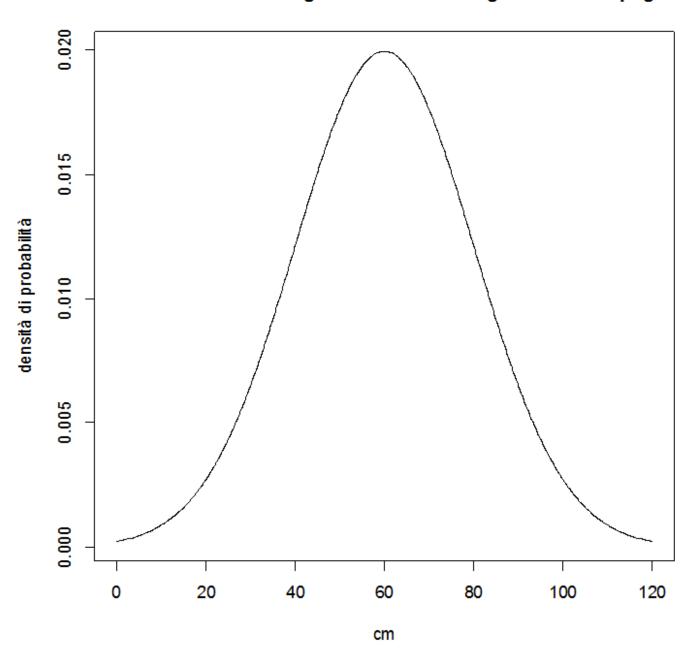
CREO LA DISTRIBUZIONE NORMALE

> tartarughe=dnorm(x, 60, 20)

CREO IL GRAFICO

- > plot(x, tartarughe, type = "l", xlab="cm", ylab
- = "densità di probabilità")
- title(main="Distribuzione della lunghezza delle tartarughe delle Galapagos")

Distribuzione della lunghezza delle tartarughe delle Galapagos



PROBABILITA' < 50

CALCOLIAMO LA PROBABILITA' DI AVERE UNA LUNGHEZZA FINO A 50 CM.
PER CONOSCERE TUTTI I VALORI A SINISTRA DI UN CERTO PUNTO DI CUTOFF (OVVERO FINO A 5) SI SCRIVE:

> pnorm(50, mean=60, sd=20, lower.tail=TRUE) [1] 0.3085375

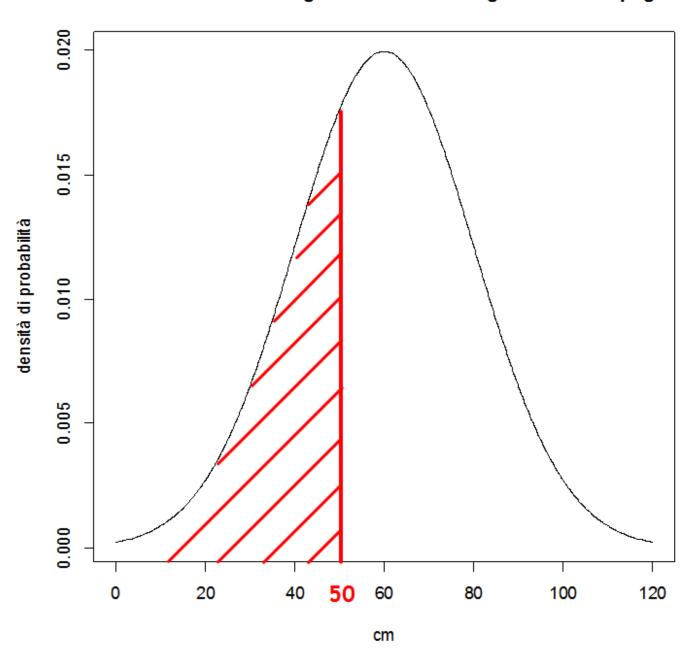
DOVE:

lower.tail=TRUE INDICA CHE VOGLIO SAPERE I VALORI A SINISTRA DI UN DETERMINATO PUNTO

lower.tail STA PER CODA PIU' BASSA, OSSIA A SINISTRA

lower.tail=FALSE INDICA INVECE CHE VOGLIO SAPERE I VALORI A DESTRA

Distribuzione della lunghezza delle tartarughe delle Galapagos



PROBABILITA' > 50

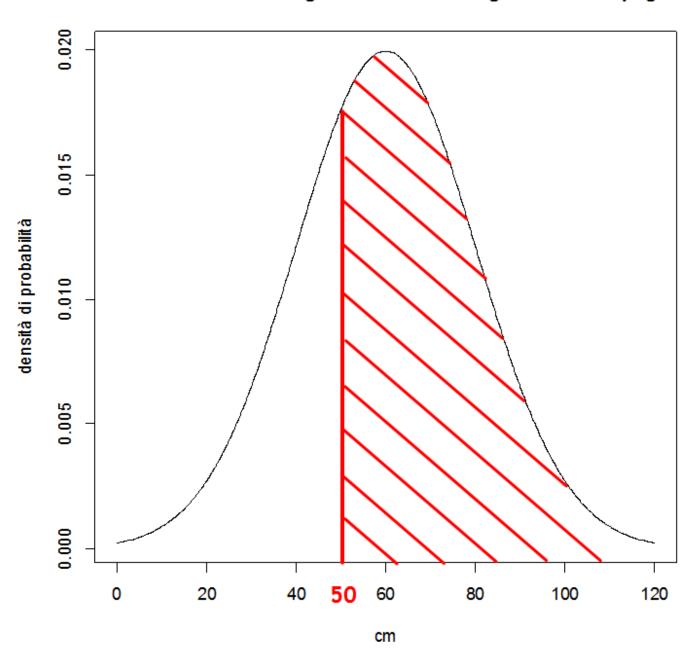
CALCOLIAMO LA PROBABILITA' DI AVERE UNA LUNGHEZZA MAGGIORE DI 50 CM. PER CONOSCERE TUTTI I VALORI A SINISTRA DI UN CERTO PUNTO DI CUTOFF (OVVERO FINO A 5) SI SCRIVE:

> pnorm(50, mean=60, sd=20, lower.tail=FALSE)
[1] 0.6914625

OPPURE:

> pnorm(50, 60, 20, lower.tail=FALSE) [1] 0.6914625

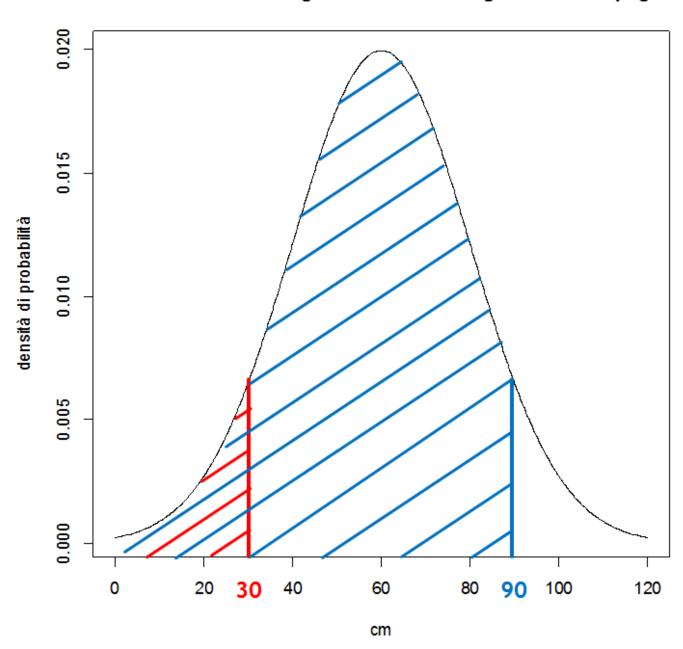
Distribuzione della lunghezza delle tartarughe delle Galapagos



PROBABILITA' FRA 30 E 90 # CALCOLIAMO LA PROBABILITA' DI AVERE UNA X FRA I 30 E I 90 CM

> pnorm(90, 60, 20, lower.tail=TRUE) pnorm(30, 60, 20, lower.tail=TRUE)
[1] 0.8663856

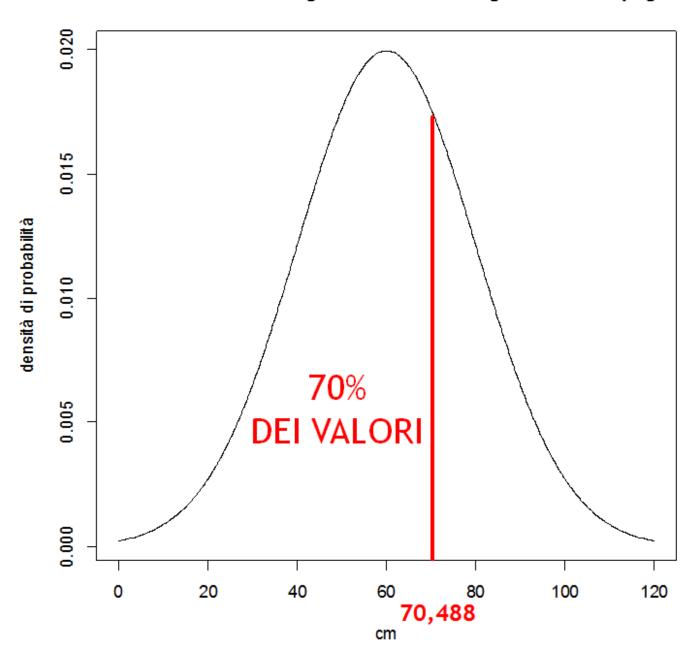
Distribuzione della lunghezza delle tartarughe delle Galapagos



QUALE VALORE INCLUDE IL 70% # IN QUESTO CASO DEVO USARE LA FUNZIONE DI RIPARTIZIONE INVERSA ''qnorm''

- # qnorm(% desiderata, media, sd)
 > qnorm(0.70, 60, 20)
- [1] 70.48801

Distribuzione della lunghezza delle tartarughe delle Galapagos



Ipotizziamo di avere dei dati distribuiti come una normale con media 100 cm e deviazione standard 30 cm (si consiglia asse delle X da 0 a 200).

Costruire il grafico e calcolare:

- probabilità > 80 cm
- probabilità fra 50 e 80 cm
- probabilità oltre 100 cm
- quale valore include il 95% della distribuzione?

CREO INNANZITUTTO L'ASSE DELLE X

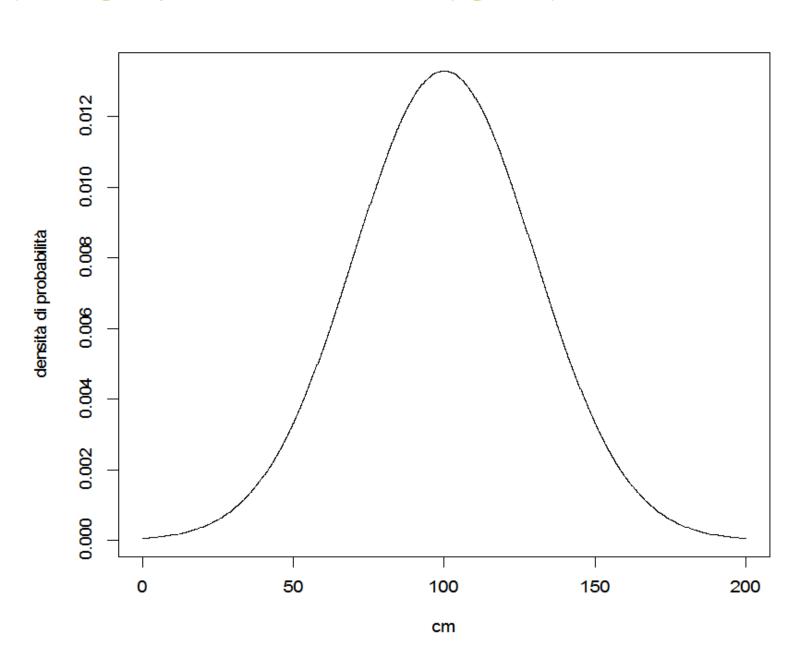
> x = seq(0, 200, 0.01)

CREO LA DISTRIBUZIONE NORMALE

> normale=dnorm(x, 100, 30)

CREO IL GRAFICO

> plot(x, normale, type = "l", xlab="cm", ylab =
"densità di probabilità")



PER CONOSCERE LA PROBABILITA' DI UNA LUNGHEZZA > 80 CM:

> pnorm(80, 100, 30, lower.tail=FALSE) [1] 0.7475075

OPPURE:

> 1 - pnorm(80, 100, 30, lower.tail=TRUE)

[1] 0.7475075

PER CONOSCERE LA PROBABILITA' DI UNA LUNGHEZZA FRA 50 E 80 CM:

> pnorm(80, 100, 30, lower.tail=TRUE) pnorm(50, 100, 30, lower.tail=TRUE)
[1] 0.2047022

PER CONOSCERE LA PROBABILITA' DI UNA LUNGHEZZA MAGGIORE DI 100 CM:

> pnorm(100, 100, 30, lower.tail=FALSE) [1] 0.5

QUALE VALORE INCLUDE IL 95% DELLA DISTRIBUZIONE?

> qnorm(0.95, 100, 30) [1] 149.3456

Ipotizziamo di avere dei dati distribuiti come una normale con media 2500 cm e deviazione standard 400 (si consiglia asse delle X da 0 a 5000).

Costruire il grafico e calcolare:

- probabilità > 3000
- probabilità > 2000
- probabilità fra 1600 e 1800
- Probabilità fra 2600 e 2700
- puale valore include il 70% della distribuzione?

CREO INNANZITUTTO L'ASSE DELLE X

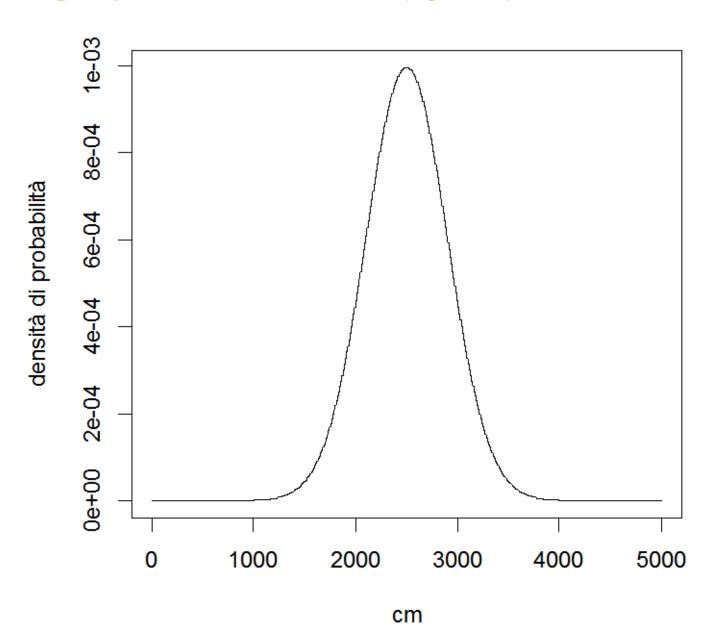
> x = seq(0, 5000, 0.01)

CREO LA DISTRIBUZIONE NORMALE

> normale=dnorm(x, 2500, 400)

CREO IL GRAFICO

> plot(x, normale, type = "l", xlab="cm", ylab =
"densità di probabilità")



PER CONOSCERE LA PROBABILITA' > 3000:

> pnorm(3000, 2500, 400, lower.tail=FALSE) [1] 0.1056498

PER CONOSCERE LA PROBABILITA' > 2000:

> pnorm(2000, 2500, 400, lower.tail=FALSE) [1] 0.8943502

PER CONOSCERE LA PROBABILITA' FRA 1600 E 1800:

- > pnorm(1800, 2500, 400, lower.tail=TRUE)
- pnorm(1600, 2500, 400, lower.tail=TRUE)
- [1] 0.02783468

ESEMPIO VARIABILE NORMALE# PER CONOSCERE LA PROBABILITA' FRA 2600 E 2700:

- > pnorm(2600, 2500, 400, lower.tail=FALSE)
- pnorm(2700, 2500, 400, lower.tail=FALSE)
- [1] 0.09275614

OPPURE:

- > pnorm(2700, 2500, 400, lower.tail=TRUE)pnorm(2600, 2500, 400, lower.tail=TRUE)
- [1] 0.09275614

QUALE VALORE INCLUDE IL 70% DELLA DISTRIBUZIONE?

> qnorm(0.70, 2500, 400)
[1] 2709.76

Ipotizziamo di avere dei dati distribuiti come una normale con media 50 cm e deviazione standard 12 (si consiglia asse delle X da 0 a 100).

Disegnare il grafico e calcolare:

- probabilità = 42
- probabilità < 42
- probabilità > 42
- quale valore include il 50% della distribuzione?

CREO INNANZITUTTO L'ASSE DELLE X

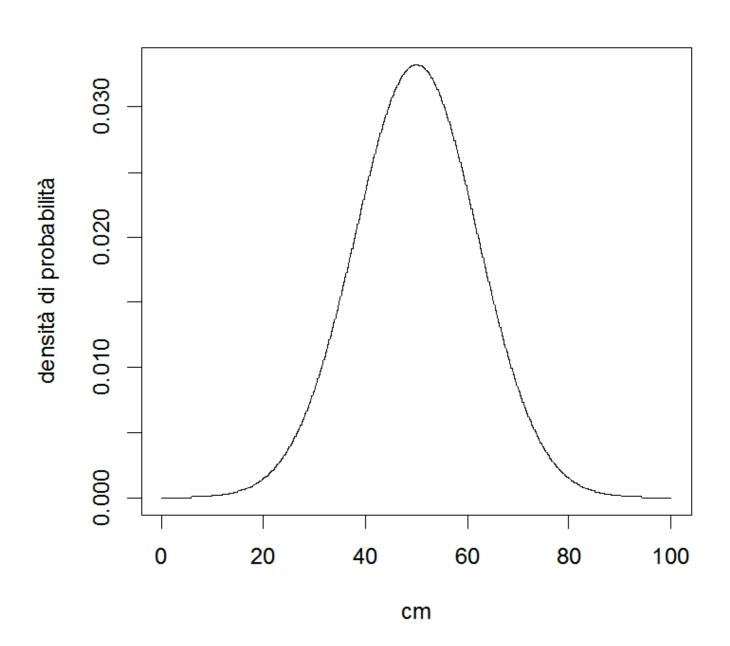
> x = seq(0, 100, 0.01)

CREO LA DISTRIBUZIONE NORMALE

> normale=dnorm(x, 50, 12)

CREO IL GRAFICO

> plot(x, normale, type = "l", xlab="cm", ylab =
"densità di probabilità")



PER CONOSCERE LA PROBABILITA' = 42:

> dnorm(42, 50, 12) [1] 0.02662067

PER CONOSCERE LA PROBABILITA' < 42:

> pnorm(42, 50, 12, lower.tail=TRUE) [1] 0.2524925

PER CONOSCERE LA PROBABILITA' > 42:

> pnorm(42, 50, 12, lower.tail=FALSE) [1] 0.7475075

QUALE VALORE INCLUDE IL 50% DELLA DISTRIBUZIONE?

> qnorm(0.50, 50, 12)
[1] 50

UN'ALTRA FUNZIONE MOLTO UTILE CON LA NORMALE E' rnorm, CHE GENERA NUMERI CASUALI DISTRIBUITI SECONDO UNA FORMA NORMALE

rnorm(n° di valori, media, sd)

- # AD ESEMPIO SE VOLESSI 100 NUMERI DISTRIBUITI SECONDO UNA NORMALE CON MEDIA=10 E SD=3 SCRIVO:
- > normali = rnorm(100, 10, 3)
- > normali

```
[1] 9.101775 10.178300 16.361825 7.658928 12.808514 18.971137 11.145115
[8] 9.216454 6.454659 9.538805 12.869454 12.090412 9.803894 6.655278
[15] 6.241585 11.760953 3.903822 10.905144 9.278810 9.317943 9.890864
[22] 8.133759 10.047835 10.688680 12.494748 6.799698 12.760327 12.629900
[29] 6.360088 10.734453 7.334972 14.342733 10.741129 10.917598 9.164149
[36] 7.129749 11.388610 12.465963 14.450955 12.031190 10.452938 4.128776
[43] 10.863655 11.484951 4.080159 7.375252 9.613027 12.114334 6.187797
[50] 12.523779 13.031138 14.380559 8.751982 5.522560 9.084749 8.999432
[57] 9.742766 7.739000 14.934484 11.810485 9.318454 6.191593 11.875519
[64] 3.671111 12.249314 12.643422 13.872522 12.695860 13.146455 12.868675
[71] 7.621365 7.849916 8.684181 5.223391 10.792060 8.265917 19.709426
[78] 6.745397 12.657500 8.805269 14.345293 16.228451 9.210950 10.345743
[85] 6.121875 9.143650 9.788000 11.109219 10.491586 11.527055 13.094629
[92] 11.959499 10.730225 8.009685 12.722475 8.566456 9.739095 6.389590
[99] 3.503712 14.445061
```

ESSENDO UNA GENERAZIONE RANDOM, IL RISULTATO CAMBIA OGNI VOLTA CHE FACCIO RIGIRARE LA rnorm

- > normali = rnorm(100, 10, 3)
- > normali

```
[1] 12.219959 10.010144 8.274351 6.737842 10.371871 6.825607 9.889556 4.174221 9.470322
[10] 12.881229 13.006578 11.313214 6.536770 5.896736 10.084139 12.763642 10.679511 13.773569
[19] 13.908794 5.799971 9.052886 7.448082 10.945705 13.555606 9.036975 9.498445 6.063145
[28] 7.727221 6.881729 14.124523 5.968233 9.656225 3.736503 11.442649 6.349359 14.573650
[37] 7.206319 7.583469 11.563384 6.551514 10.817677 8.499822 14.120180 9.751970 14.583080
[46] \ 14.519570 \ \ 8.468743 \ \ 4.712776 \ 11.886612 \ \ 7.754050 \ 13.718112 \ \ 9.552893 \ \ 7.401971 \ \ 8.256023
[55] 4.543036 8.404632 12.043188 14.782622 13.542304 9.434687 11.787563 15.168621 4.977038
[64] 15.617698 8.032629 8.898195 10.386072 11.733109 11.724578 11.545083 4.353410 12.377442
[73] 11.092246 6.910395 13.094385 11.075365 7.386838 9.820823 14.202449 10.938280 7.615347
[82] 9.331125 10.602865 10.778740 10.300893 14.017932 8.462295 8.478741 5.712669 9.851226
[91] 5.271629 9.890182 9.674378 8.536093 13.979726 10.607006 10.832335 11.892957 11.651635
[100] 8.814592
```