

## Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.  
Best model found:log\_probit

# Model Predictions

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10
logistic	16.104	0.013	54.364	38.209	31.778
gamma	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	31.99	0.0	85.302	17.574	12.113
log_logistic	36.863	0.0	81.608	18.723	14.508
probit	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	4.856	0.434	51.909	53.763	nan
multistage_2	122.003	0.0	206.489	3.62	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan

# Scaled Residuals

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5	dose6	dose7
logistic	0.240231	-3.512795	0.267713	0.306529	0.384965	-0.988933	1.490869	-0.438034
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	0.017889	-1.778074	0.613335	0.927787	1.305601	1.287273	2.65931	-4.142139
log_logistic	0.017889	-3.792726	0.386763	0.686674	1.104414	1.192691	2.832859	-3.345062
probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	0.536942	-1.23529	0.536942	0.536942	0.528486	-1.38076	0.528487	-5.2e-05
multistage_2	1.885618	1.734705	2.38463	2.920713	3.709163	4.851473	7.851722	1.508903
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan

Dose-response with best fit model (log\_probit)

