

## Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.

Best model found: logistic

Model fit might be unreliable.

p-val for chi-squared statistic was  $< 0.1$  for all converged models.

# Model Predictions

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10
logistic	44.774	0.0	37.624	36.101	30.34
gamma	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	36.965	0.0	83.499	13.134	10.437
log_logistic	38.33	0.0	75.058	17.059	14.55
probit	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	nan	nan	nan	nan	nan
multistage_2	71.34	0.0	132.595	12.371	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan

# Scaled Residuals

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5	dose6	dose7
logistic	0.128188	0.144437	-6.576427	0.179278	0.246782	0.482698	0.911052	-0.575264
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	0.017889	0.460523	-0.915607	1.021213	1.490879	2.236081	2.903924	-4.38364
log_logistic	0.017889	0.160903	-3.260309	0.579427	1.053471	1.946452	3.016286	-3.652649
probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
multistage_2	1.885618	1.978806	1.328544	2.013639	2.328071	3.471669	6.36806	0.154836
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan

Dose-response with best fit model (logistic)

