

Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.

Best model found:log_logistic

Model fit might be unreliable.

p-val for chi-squared statistic was < 0.1 for all converged models.

Model Predictions

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10
logistic	26.345	0.0	57.969	1.111	nan
gamma	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	nan	nan	nan	nan	nan
log_logistic	12.711	0.005	45.124	1.172	0.826
probit	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	nan	nan	nan	nan	nan
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan

Scaled Residuals

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5
logistic	1.017785	1.505385	-2.703549	3.966624	-1.7e-05	-0.0
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_logistic	-0.20873	0.415747	-1.202394	3.323784	-0.034106	-0.018409
probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan

Dose-response with best fit model (log_logistic)

