## Summary of Analysis

Dose-response data quality good.
Best model found:log\_probit
Model fit might be unreliable.
p-val for chi-squared statistic was < 0.1 for all converged models.

## **Model Predictions**

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10	
logistic	24.045	0.002	268.965	21.424	18.566	
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	
weibull	34.028	0.0	287.703	11.526	9.655	
log_logistic	16.804	0.019	262.864	26.831	22.536	
probit	25.417	0.001	270.523	19.539	16.975	
log_probit	16.16	0.024	262.177	27.376	nan	
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan	
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	

## **Scaled Residuals**

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5	dose6	dose7	dose8	dose9
logistic	0.887115	-1.720619	-0.742313	-1.612005	1.294316	2.49995	0.009935	-2.450092	-0.787129	1.612602
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	1.112149	-1.349916	-0.430134	-1.154928	1.671589	4.004733	1.144128	-2.075207	-1.855143	-1.249377
log_logistic	1.026699	-1.500079	-0.609652	-1.500058	1.174065	1.734008	-0.203926	-1.94274	-0.163022	1.627827
probit	0.792161	-1.882853	-0.855386	-1.742685	1.287917	2.721206	0.206046	-2.416976	-1.046789	1.19685
leg_probit	1.043857	-1.472349	-0.588162	-1.472349	1.180215	1.569305	-0.205682	-1.987046	-0.324118	1.561239
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan

