

Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.
Best model found:log_probit

Model Predictions

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10
logistic	26.122	0.0	70.102	36.01	29.903
gamma	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	35.709	0.0	99.445	15.755	10.741
log_logistic	8.582	0.127	62.965	58.379	47.265
probit	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	8.582	0.127	62.965	54.289	nan
multistage_2	124.521	0.0	217.165	3.615	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan

Scaled Residuals

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5	dose6	dose7
logistic	0.398275	-1.875046	-4.192405	0.485155	0.581681	0.863139	1.740942	-0.722598
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	0.017889	-1.100758	-1.891724	1.086994	1.447644	1.970649	2.640282	-4.097123
log_logistic	0.659082	-0.78119	-2.416636	0.659082	0.648702	0.648702	0.648716	-1.4e-05
probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	0.659082	-0.781189	-2.416634	0.659082	0.648702	0.648702	0.648703	-1e-06
multistage_2	1.885618	1.735135	1.397726	2.922	3.711401	5.215611	7.859994	2.169332
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan

Dose-response with best fit model (log_probit)

