

Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.

Best model found:log_logistic

Model fit might be unreliable.

p-val for chi-squared statistic was < 0.1 for all converged models.

Model Predictions

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10
logistic	293.073	0.0	138.672	0.409	nan
gamma	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	nan	nan	nan	nan	nan
log_logistic	1507.694	0.0	113.183	0.278	nan
probit	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	nan	nan	nan	nan	nan
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan

Scaled Residuals

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5	dose6	dose7
logistic	4.938547	-3.756289	-2.242878	-0.538698	1.088899	15.750153	-0.001166	-0.0
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_logistic	0.510592	-1.641112	2.010553	8.464979	12.076274	35.821862	-0.010086	-0.004031
probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan	nan

Dose-response with best fit model (log_logistic)

