

## Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.

Best model found:log\_probit

Model fit might be unreliable.

p-val for chi-squared statistic was  $< 0.1$  for all converged models.

# Model Predictions

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10
logistic	8.85	0.065	131.208	81.958	37.32
gamma	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	8.981	0.03	133.143	98.415	nan
log_logistic	7.703	0.053	130.17	0.062	nan
probit	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	7.564	0.056	129.908	0.055	nan
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan

# Scaled Residuals

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5
logistic	1.802138	-1.864995	-0.641543	1.198037	-0.525733	0.033689
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	1.769204	-1.94851	-0.693969	1.198789	-0.365875	0.039704
log_logistic	0.955158	-2.063162	-0.467586	1.509764	0.18675	0.030414
probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	0.864975	-2.058745	-0.448901	1.526394	0.210204	0.046128
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan

Dose-response with best fit model (log\_probit)

