

## Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.  
Best model found:probit

# Model Predictions

| Model          | Chi-squared | p-val | AIC    | BMD10  | BMDL10 |
|----------------|-------------|-------|--------|--------|--------|
| logistic       | 2.081       | 0.721 | 79.252 | 62.082 | 36.942 |
| gamma          | nan         | nan   | nan    | nan    | nan    |
| weibull        | 1.675       | 0.642 | 80.78  | 80.944 | 24.767 |
| log_logistic   | 1.673       | 0.643 | 80.774 | 81.921 | 20.906 |
| probit         | 2.074       | 0.722 | 79.233 | 63.125 | 35.798 |
| log_probit     | nan         | nan   | nan    | nan    | nan    |
| multistage_2   | 8.935       | 0.03  | 91.373 | 48.62  | 39.816 |
| quantal_linear | nan         | nan   | nan    | nan    | nan    |

# Scaled Residuals

| Model          | dose0     | dose1    | dose2     | dose3     | dose4    | dose5     |
|----------------|-----------|----------|-----------|-----------|----------|-----------|
| logistic       | 0.123575  | 1.041695 | -0.818572 | -0.519646 | 0.200362 | -0.004912 |
| gamma          | nan       | nan      | nan       | nan       | nan      | nan       |
| weibull        | -0.31343  | 0.964534 | -0.675874 | -0.224502 | 0.359897 | -0.100714 |
| log_logistic   | -0.316996 | 0.962416 | -0.675277 | -0.220445 | 0.362745 | -0.101298 |
| probit         | 0.109407  | 1.035388 | -0.824448 | -0.511827 | 0.219454 | -0.007727 |
| log_probit     | nan       | nan      | nan       | nan       | nan      | nan       |
| multistage_2   | 1.296362  | 1.795455 | 0.572536  | 0.735556  | 1.271521 | 1.243251  |
| quantal_linear | nan       | nan      | nan       | nan       | nan      | nan       |

Dose-response with best fit model (probit)

