

## Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.  
Best model found:log\_probit

# Model Predictions

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10
logistic	6.631	0.157	107.146	28.197	23.286
gamma	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	4.293	0.232	106.854	19.167	nan
log_logistic	4.387	0.223	106.26	21.345	10.488
probit	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	3.904	0.272	105.705	20.819	nan
multistage_2	120.646	0.0	217.851	3.266	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan

# Scaled Residuals

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5
logistic	0.783168	-0.448702	0.929551	0.24383	-1.945689	1.052199
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	0.596145	-0.926036	0.950777	0.68048	-1.166607	0.5931
log_logistic	0.559917	-1.193587	0.755474	0.319705	-1.152466	0.805008
probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	0.574918	-1.181447	0.666222	0.222313	-1.036633	0.781004
multistage_2	1.885618	1.644742	3.127218	3.996873	5.036852	7.953686
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan

Dose-response with best fit model (log\_probit)

