

Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.

Best model found:log_logistic

Model fit might be unreliable.

p-val for chi-squared statistic was < 0.1 for all converged models.

Model Predictions

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10
logistic	153.629	0.0	160.578	1.891	1.443
gamma	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	nan	nan	nan	nan	nan
log_logistic	55.293	0.0	89.374	0.687	0.37
probit	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	nan	nan	nan	nan	nan
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan

Scaled Residuals

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5
logistic	3.622112	3.431258	-5.759766	-2.383498	9.479912	-0.103907
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_logistic	0.017889	2.026836	-3.156234	-0.093524	6.408598	-0.380037
probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan

Dose-response with best fit model (log_logistic)

