

## Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.

Best model found:log\_logistic

Model fit might be unreliable.

p-val for chi-squared statistic was  $< 0.1$  for all converged models.

# Model Predictions

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10
logistic	11.471	0.022	63.97	10.85	6.541
gamma	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	24.193	0.0	87.983	1.663	1.36
log_logistic	8.034	0.045	62.478	16.441	nan
probit	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	nan	nan	nan	nan	nan
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan

# Scaled Residuals

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5
logistic	0.124064	-2.591177	1.088295	-0.722916	1.668362	-0.500591
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	0.186265	-2.409983	1.195858	0.287556	3.844139	-1.435239
log_logistic	0.318054	-2.159063	1.195649	-0.559541	1.236192	-0.000376
probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan

Dose-response with best fit model (log\_logistic)

