## Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.
Best model found:log\_logistic
Model fit might be unreliable.
p-val for chi-squared statistic was < 0.1 for all converged models.

## **Model Predictions**

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10	
logistic	21.231	0.02	132.651	91.048	55.952	
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	
weibull	nan	nan	nan	nan	nan	
log_logistic	18.811	0.027	130.272	66.615	64.005	
probit	21.266	0.019	132.785	99.125	56.899	
log_probit	18.811	0.027	130.272	66.207	nan	
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan	
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	

## **Scaled Residuals**

Model	dose0	dosel	dose2	dose3	dose4	dose5	dose6	dose?	dose8	dose9	dose10	dose11
logistic	0.369004	-0.402157	-1.393924	0.957776	0.848794	-3.108197	0.963761	1.02961	-0.485964	1.221701	1.405236	-1.41259
gamma	nan	nan	nan	nen	nen	nan	nan	nan	nan	nen	nen	nan
weibul	nan	nan	nan	nen	nen	nan	nan	nan	nan	nen	nan	nan
log_logistic	0.507787	-0.237967	-1.245291	0.981582	0.865674	-3.202537	0.925444	0.923444	-1.245291	0.925444	0.925445	1e-06
probit	0.38093	-0.384628	-1.373862	0.964666	0.854992	-3.069691	0.971565	1.037667	-0.482607	1.223836	1.399062	-1.519351
leg_probit	0.507787	-0.237967	-1.245292	0.981582	0.865674	-3.202537	0.925444	0.925444	-1.245292	0.925444	0.925448	3e.06
multistage_2	nan	nan	nan	nen	nen	nan	nan	nan	nan	nen	nen	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nen	hen	nan	nan	nan	nan	nen	nan	nan

