Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised. Best model found:log_probit

Model Predictions

| Model | Chi-squared | p-val | AIC | BMD10 | BMDL10 |
|----------------|-------------|-------|--------|--------|--------|
| logistic | 10.835 | 0.028 | 61.656 | 52.414 | 33.813 |
| gamma | nan | nan | nan | nan | nan |
| weibull | 5.253 | 0.154 | 59.212 | 8.198 | nan |
| log_logistic | 5.47 | 0.14 | 59.185 | 11.164 | nan |
| probit | nan | nan | nan | nan | nan |
| log_probit | 5.508 | 0.138 | 58.981 | 11.886 | nan |
| multistage_2 | nan | nan | nan | nan | nan |
| quantal_linear | nan | nan | nan | nan | nan |

Scaled Residuals

| Model | dose0 | dose1 | dose2 | dose3 | dose4 | dose5 |
|----------------|----------|-----------|----------|----------|-----------|----------|
| logistic | 0.930578 | -0.22983 | 1.009119 | 1.016921 | -2.799244 | 0.168777 |
| gamma | nan | nan | nan | nan | nan | nan |
| weibull | 0.015166 | -1.43188 | 0.816023 | 1.162101 | -1.064722 | 0.228263 |
| log_logistic | 0.413902 | -1.434444 | 0.736127 | 1.050435 | -1.196689 | 0.40425 |
| probit | nan | nan | nan | nan | nan | nan |
| log_probit | 0.517904 | -1.431326 | 0.652501 | 0.939734 | -1.256122 | 0.55155 |
| multistage_2 | nan | nan | nan | nan | nan | nan |
| quantal_linear | nan | nan | nan | nan | nan | nan |

