

## Summary of Analysis

Data resolution poor. Caution advised.  
Best model found:log\_probit

# Model Predictions

Model	Chi-squared	p-val	AIC	BMD10	BMDL10
logistic	4.319	0.365	93.299	109.244	42.093
gamma	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	3.202	0.361	94.455	118354589.433	nan
log_logistic	2.384	0.497	92.234	188.547	nan
probit	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	2.261	0.52	92.079	224.878	nan
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan

# Scaled Residuals

Model	dose0	dose1	dose2	dose3	dose4	dose5
logistic	1.323326	-1.049606	-0.977306	0.646841	0.240813	-0.186156
gamma	nan	nan	nan	nan	nan	nan
weibull	1.258382	-0.579491	-0.502513	0.901304	0.271398	-0.380168
log_logistic	0.416084	-0.89892	-0.582066	0.924747	0.435576	-0.136947
probit	nan	nan	nan	nan	nan	nan
log_probit	0.342568	-0.86564	-0.56044	0.933327	0.433768	-0.144259
multistage_2	nan	nan	nan	nan	nan	nan
quantal_linear	nan	nan	nan	nan	nan	nan

Dose-response with best fit model (log\_probit)

