

Experiment Design:

Experiment Design I:

- **Basale Designs:**
 - Completely Randomized
 - Randomized Complete Blocks
 - Latin Squares
- Faktorielle Experimente

Experiment Design II:

- Confounding
- Split Plot und Split Block Design
- Incomplete Block Designs, Gitter

Basale Designs: Completely Randomized



Layout:

- Zufällige (/keine) Anordnung der Gruppen
- Wenn möglich: gleiche Anzahl Individuen pro Gruppe

Beispiel: 4 verschiedene Futterzusätze

- Jeweils 5 Schafe bekommen ein Präparat
- Schafe jeder Gruppe werden markiert
- Alle Schafe grasen auf derselben Weide
- Im Frühjahr werden die Schafe geschoren und Wollerträge gemessen.

Beispiel: Completely Randomized



Layout:

- 1 **treatment**: Futterzusätze
 - 4 Unterschiedliche **level**: A-D
- 5 Individuen pro Gruppe

treatment: v

ANOVA:

<u>Varianzquelle</u>	<u>df</u>	<u>ss</u>
treatment	(v-1) = 3	$\sum_{i=1}^v X_{i.}^2/r - \bar{X}_{..}^2/rv$
residual	v(r-1) = 16	$\sum_{i=1}^v (\sum_{j=1}^r X_{ij}^2/r - \bar{X}_{i.}^2/r)$

> **aov(yield ~ treatment, data=CR)**

Completely Randomized



Vorteile:

- **Einfache Konzeption**
- **Einfache Statistik, maximale Anzahl Freiheitsgrade für den Fehler**
- **Unterschiedliche Anzahl Wiederholungen pro Gruppe möglich**

Nachteile:

- Nur für **homogenes Versuchsmaterial** geeignet
- Insofern ungeeignet für **große Anzahl treatments**

Randomized Complete Block Design

Layout:



- Blöcke von jeweils ähnlichen Individuen
- Zufällige Anordnung der *treatment level* innerhalb der Blöcke
- Im Block müssen alle *treatments* vorkommen

ANOVA:

Varianzquelle	df	ss
treatments	(v-1) = 4	$\sum_i X_{i..}^2/r - X_{...}^2/rv$
blocks	(r-1) = 5	$\sum_j X_{j..}^2/v - X_{...}^2/rv$
residual	(v-1)(r-1) = 20	$\sum_{ij} X_{ij}^2 - \sum_i X_{i..}^2/r - \sum_j X_{j..}^2/v + X_{...}^2/rv$

```
> aov(yield ~ treatment+blocks, data=RCB)
```

Randomized Complete Block Design



Vorteile:

- Wenn Versuchsmaterial inhomogen: Eliminieren der Blockvarianz reduziert Fehler
- Einfache Auswertung
- Einzelne Blöcke können eliminiert werden

Nachteile:

- Ungeeignet bei großer Varianz innerhalb eines Blocks
- Alle *treatment level* müssen im Block vorkommen

Randomized Complete Blocks

Beispiel:

- 5 Futter mit unterschiedlichem Proteingehalt
- 6 Schafrassen: I bis VI

ANOVA RCB:

	Df	Sum Sq	Mean Sq	F value	Pr(>F)	
treatment	4	4314	1078.6	9.065	0.00024	***
blocks	5	466	93.3	0.784	0.57312	
Residuals	20	2380	119.0			

ANOVA CR:

	Df	Sum Sq	Mean Sq	F value	Pr(>F)	
treatment	4	4314	1078.6	9.47	8.37e-05	**
Residuals	25	2846	113.8			

Randomized Complete Blocks

Missing Data

- Da in jedem Block jedes *treatment* vorkommen muss, müssen fehlende Werte abgeschätzt werden.

$$X_{ij} = \frac{v X_{i\cdot} + r X_{\cdot j} - X_{..}}{(v-1)(r-1)}$$

- Die Abschätzung erfolgt durch lineare Regression
- Die Anzahl der Freiheitsgrade für den Fehler sinkt um 1.
- Wenn mehrere Werte fehlen, muss iterativ ermittelt werden

Latin Square Design



Layout:

- Zwei Varianzquellen werden erfasst:
sie bilden Reihen und Spalten eines Quadrats
- Jedes *treatment* in jeder Reihe und jeder Spalte

	Alter I	Alter II	Alter III
Rasse I	A	B	C
Rasse II	C	A	B
Rasse III	B	C	A

Latin Square Design

Aufbau:

A	B	C
C	A	B
B	C	A

- Anzahl der *treatment level* definiert Anzahl von Reihen und Spalten
- Anordnung der *level* in Reihen und Spalten ist (bedingt) zufällig
- Bedingung:
 - jede Reihe und jede Spalte enthält alle *treatment level*
 - jedes *level* kommt genau ein mal vor
- *Missing data* im $k \times k$ Quadrat:
$$X_{ijh} = \frac{k(X_{i..} + X_{j..} + X_{...h}) - 2X_{...}}{(k - 1)(k - 2)}$$

Latin Square Design

ANOVA LS ($k \times k$):

Varianzquelle	df	ss	ms=ss/df
Row	$(k - 1)$	$\sum X_{i..}^2/k - \bar{X}_{...}^2/k^2 = \sum (x_i - \bar{x})^2$	R
Column	$(k - 1)$	$\sum X_{.j.}^2/k - \bar{X}_{...}^2/k^2 = \sum (x_j - \bar{x})^2$	C
treatment	$(k - 1)$	$\sum X_{...h}^2/k - \bar{X}_{...}^2/k^2 = \sum (x_h - \bar{x})^2$	T
residuals	$(k-1)(k-2)$	$\sum X_{ijh}^2 - \sum X_{i..}^2/k - \sum X_{.j.}^2/k - \sum X_{...h}^2/k + 2\bar{X}_{...}^2/k^2$	E

```
> aov(var ~treatment+row+column, data=LS)
```

Latin Square Design

Beispiel:

- qPCR für 5 Transcriptionsfaktoren A - E (treatment):
- 5 Zell-Typen (rows),
- 5 Zeitpunkte Day I bis V(columns)
- Angabe des ΔCt Wertes

Celltype	TF									
	Day_I		Day_II		Day_III		Day_IV		Day_V	
#1	A	4,2	C	4,7	B	5,5	D	5,1	E	4,4
#2	E	4,5	B	5,4	C	5,2	A	4,4	D	5
#3	C	4,1	A	4,6	D	5,7	E	4,7	B	4,8
#4	B	5,6	D	5,2	E	4,9	C	5	A	4,3
#5	D	4,7	E	4,9	A	4,5	B	5,4	C	4,6

```
> aov(deltaCt ~TF+Celltype+Day, data=LS)
```

Latin Square Design

```
> summary(aov(deltaCt~TF+Celltype+Day, data=LS))
      Df Sum Sq Mean Sq F value    Pr(>F)
TF        4 1.0936  0.2734   4.906  0.014105 *
CellType  4 0.1776  0.0444   0.797  0.549839
day       4 2.8616  0.7154  12.836  0.000271 ***
Residuals 12 0.6688  0.0557
```

```
> summary(aov(deltaCt~TF, data=LS))
      Df Sum Sq Mean Sq F value    Pr(>F)
TF        4 1.094   0.2734   1.475   0.247
Residuals 20 3.708   0.1854
```

Latin Square Design



A	B	C
C	A	B
B	C	A

Vorteile:

- Hohe Präzision, da viel Varianz erklärt wird
- Noch immer recht einfache Auswertung
- Rechnung für *missing data* recht einfach

Nachteile:

- geeignet nur für 5 bis 12 *treatments*:
- Bei 2x2, 3x3, 4x4 nur 0, 2, 6 DF für Fehler
- Immer so viele Replikate wie *treatments* nötig

Wiederholtes Latin Square Design

Anwendung:

A	B	C
C	A	B
B	C	A

- für 2×2 , 3×3 , 4×4 : mehr Freiheitsgrade für den Fehler
- um einen zusätzlichen Blockeffekt zu berücksichtigen (z.B. Standort etc.)
- $2 \times 2 \rightarrow 2$ Möglichkeiten, $3 \times 3 \rightarrow 12$, $4 \times 4 \rightarrow 576$, $5 \times 5 \rightarrow 161.280$; zufällige Auswahl

A	C	B
B	A	C
C	B	A

Varianzquelle	df	ms=ss/df
Square	s - 1	S
Row	s(k - 1)	R
Column	s(k - 1)	C
Treatment	k - 1	T
Treatment x Square	(s-1)(k-1)	TS
Residuals	s(k-1)(k-2)	E

Graeco - Latin Square Design

A α	B ε	C β	D ζ	E γ	F η	G δ
B β	C ζ	D γ	E η	F δ	G α	A ε
C γ	D η	E δ	F α	G ε	A β	B ζ
D δ	E α	F ε	G β	A ζ	B γ	C η
E ε	F β	G ζ	A γ	B η	C δ	D α
F ζ	G γ	A η	B δ	C α	D ε	E β
G η	A δ	B α	C ε	D β	E ζ	F γ

Layout:

- Untersuchung von 4 Varianzquellen: Row, Column, treatment1, treatment2
- t1 und t2 werden orthogonal überlagert: jeder lateinische Buchstabe wird genau ein mal mit jedem griechischen kombiniert
- für $k \times k$ gibt es $(k-1)$ orthogonale Quadrate

Varianzquelle	df	ms=ss/df
Latin	$k - 1$	L
Greek	$k - 1$	G
Row	$k - 1$	R
Column	$k - 1$	C
residuals	$(k-1)(k-3)$	E

(k-1)(k-2) im Latin square

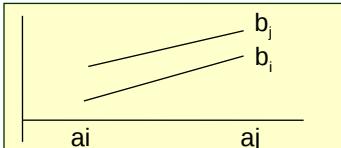
Das Faktorielle Experiment

- Bisher wurden Experimente besprochen, die dazu dienten, eventuelle Effekte **eines treatments** möglichst deutlich zu machen. Hierzu sollten unbeabsichtigte Varianzquellen möglichst ausgeschlossen werden.
- Wenn **mehr als ein treatment** in einem Experiment untersucht werden soll, liegt meist ein **faktorielles Experiment** vor.
- Es ist möglich, dass **Faktoren einander beeinflussen!**

Faktorielle Experimente

Beispiel:

- a: N Düngung
 a_i : 50, a_j : 70kg/ha
- b: Bewässerung
 b_i : 4, b_j : 8 mm/Tag



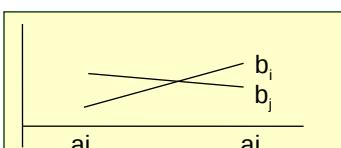
- **2 oder mehr Behandlungen** (mit je mindestens 2 Stufen) in einem Experiment
- Um die Behandlungen unabhängig voneinander untersuchen zu können, müssen **ALLE Kombinationen der Faktor-Level im Experiment vorkommen**

2 Behandlungen mit je 2 Stufen: $2^2 = 4$ Kombinationen

3 Behandlungen mit je 2 Stufen: $2^3 = 8$ Kombinationen

2 Behandlungen mit je 3 Stufen: $3^2 = 9$ Kombinationen

2 Behandlg. mit 2 bzw. 3 Stufen: $2 \times 3 = 6$ Kombinationen



- **Interaktion:** wenn *level* von a für verschiedene *level* von b unterschiedlich angeordnet sind: A \times B

Faktorielle Experimente

Achtung:

- "Faktoriell" bezeichnetet kein best. Design, sondern die Art der Daten-Auswertung
- Faktorielle Experimente können als CR, RCB oder LS ausgelegt werden
- für die Auswertung sind äquidistante Level oder logarithmische Abstände vorteilhaft

- 2 oder mehr Behandlungen (mit je mindestens 2 Stufen) in einem Experiment
- Um die Behandlungen unabhängig voneinander untersuchen zu können, müssen ALLE Kombinationen der Faktor-Level im Experiment vorkommen
 - 2 Behandlungen mit je 2 Stufen: $2^2 = 4$ Kombinationen
 - 3 Behandlungen mit je 2 Stufen: $2^3 = 8$ Kombinationen
 - 2 Behandlungen mit je 3 Stufen: $3^2 = 9$ Kombinationen
 - 2 Behandlg. mit 2 bzw. 3 Stufen: $2 \cdot 3 = 6$ Kombinationen
- Interaktion: wenn *level* von a für verschiedene *level* von b unterschiedlich angeordnet sind: A x B

Faktorielle Experimente

Achtung:

- "Faktoriell" bezeichnetet kein best. Design, sondern die Art der Daten-Auswertung
- Faktorielle Experimente können als CR, RCB oder LS ausgelegt werden
- für die Auswertung sind äquidistante Level oder logarithmische Abstände vorteilhaft

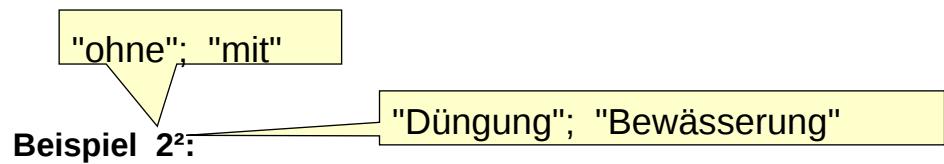
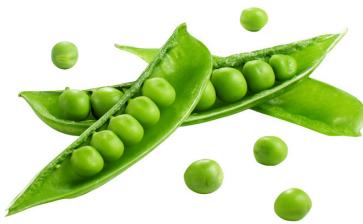
Vorteile:

- hoher Informationsgehalt, da verschiedene Behandlungen unabhängig betrachtet werden
- Interaktionen werden nachweisbar

Nachteil:

- Vollständigkeit bedingt hohe Zahl von Kombinationen:
viele Individuen → hohe Varianz
- Lösung: unvollständige Designs (*confounding*)

Faktorielle Experimente:



- Erbsenbau ohne / mit NPK-Düngung
- ohne / mit künstlicher Bewässerung
- Anlage als *Randomized Complete Blocks* mit 4 Blöcken

Erträge	"00"	"01"	"10"	"11"
I	53.13	28.66	33.21	6.42
II	60.00	21.97	45.00	35.06
III	60.67	20.27	39.82	24.35
IV	58.69	35.06	30.00	18.44

Faktorielle Experimente:



Effects	"00"	"01"	"10"	"11"	S +	S -	S total
	232.49	105.96	148.03	84.27			
B: -/+ Wasser	+	-	+	-	380.52	190.23	190.29
A: -/+ Dünger	+	+	-	-	338.45	232.3	106.15
A X B	+	-	-	+	316.76	253.99	62.77
total	+	+	+	+	570.75		570.75

Erträge	"00"	"01"	"10"	"11"
I	53.13	28.66	33.21	6.42
II	60.00	21.97	45.00	35.06
III	60.67	20.27	39.82	24.35
IV	58.69	35.06	30.00	18.44

Faktorielle Experimente:



Effects	"00"	"01"	"10"	"11"	S +	S -	S total
	232.49	105.96	148.03	84.27			
B: -/+ Wasser	+	-	+	-	380.52	190.23	190.29
A: -/+ Dünger	+	+	-	-	338.45	232.3	106.15
A X B	+	-	-	+	316.76	253.99	62.77
total	+	+	+	+	570.75		570.75

$$(190.29)^2/16$$

	Df	Sum Sq	Mean Sq	F value	Pr(>F)
Block	3	208.1	69.4	1.183	0.369572
Dünger	1	704.2	704.2	12.010	0.007098 **
Wasser	1	2263.1	2263.1	38.596	0.000156 ***
Dünger:Wasser	1	246.3	246.3	4.200	0.070693 .
Residuals	9	527.7	58.6		

Faktorielle Experimente:

Experiment-Design:

- *completely random* und *randomized block* sind immer möglich
- insbesondere bei unterschiedlicher Anzahl der Level (z.B. $2^n \times 3^s$)
- *Latin square* geht bei 2^2 , 2^3 und 3^2 .
- 5^2 , 3^3 , 2^5 , 4^3 , 5^2 sind meist zu groß:
- Lösung: Überlagerung (*confounding*)

Effects	"00"	"01"	"10"	"11"	S +	S -	S total
	232.49	105.96	148.03	84.27			
B: -/+ Wasser	+	-	+	-	380.52	190.23	190.29
A: -/+ Dünger	+	+	-	-	338.45	232.3	106.15
A X B	+	-	-	+			
total	+	+	+	+			

Zufällige Varianz
"random effect"

```
> aov(yield ~ Dünger*Wasser+Error(Block),
  data= F2x2)
```

```
> aov(yield ~ Dünger*Wasser+Block,
  data= F2x2)
```