

Funghi: mi fido del colore?

1. Scaricare il dataset da <https://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/mushroom> e inserirlo nel dataframe mushroom
2. Trasformare i valori degli attributi in numeri
3. Calcolare l'accuratezza (5 folder cross validation) del dataset ottenuto nel predire se un fungo è velenoso con 3 classificatori
4. Utilizzare solo gli attributi del dataset che riguardano il colore (chiamare il nuovo dataset mushroom_color) e verificare se l'accuratezza cambia
5. Creare una nuova versione di mushroom_color, in cui per ogni valore di ogni feature viene creato un vettore booleano che assume valore 1 solo in corrispondenza di istanze con quello specifico valore nel dataset originale. Verificare se l'accuratezza cambia.
6. Aggiungere un attributo a mushroom_color del punto 4 del dataset originale in modo da aumentare l'accuratezza
7. Usare un algoritmo di regressione per calcolare il valore di edibile. Usare un train/test del 30%. Arrotondare all'intero più vicino. Cambia il risultato?
8. Valutare alcune configurazioni possibili di un modello selezionato a piacere

