ARE DYNAMIC

Epidémie

Demeulenaère Vivien Faure Comte Louis Graffigne Raphaël Lachemot Cédric



Problématique

Les comportements individuels influent-ils sur la propagation d'une épidémie à l'échelle de la population?

Idée générale

- Jeu de la vie :
 évolution individuelle en fonction des voisins
- Système composé de 4 matrices :
 1 matrice d'état, 2 de compteurs, 1 matrice de comportements.

Création des matrice

Fonction permettant d'initialiser un plateau en trois dimensions -> plusieurs matrices.

Problème : génération aléatoire par la fonction rand -> répartition équiprobable.

Solution -> Fonctions permettant une génération de valeurs suivant des probabilités différentes.

Pour chaque individu:

- extraction des données dans un nouveau plateau de taille 3x3. (problème des modulos).
- Récolte de nouvelles données propres au nouveau plateau (nbr d'infectes, «taux» d'infection).
- Analyse de l'état de la cellule centrale
 - -> renvoie à la loi d'évolution concernant cet état.

Personne saine :

Regarde le «taux» d'infection autour du sujet

- Si le taux est supérieur au seuil fixé : Passage au statut d'infecté.
- Sinon:

Reste au statut sain.

Personne infectée :

- Incrémentation d'un compteur
- Lorsque ce compteur atteint un certain seuil : Passage en rémission

Personne en rémission :

- Si le nombre d'infectés est supérieur à un seuil : Retour en infecté.
- Sinon:
 - Incrémentation d'un compteur
 - A la fin du compteur -> passage à l'état sain

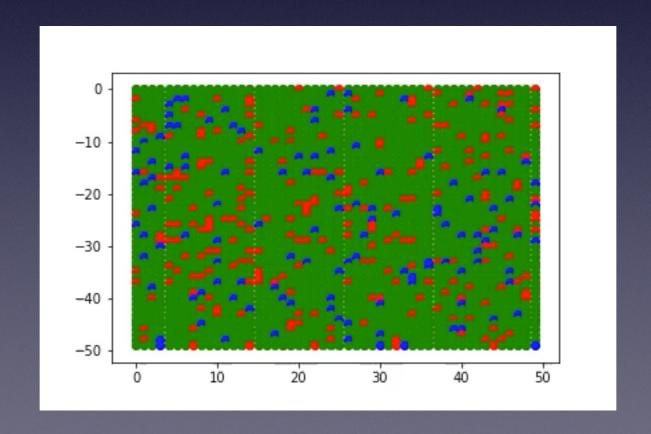
Nouvel état

Pour chaque individu:

- Evolution de la cellule
- Report des données de cette cellule dans un nouveau plateau

Affichage

- Fonction d'affichage point par point sur la première matrice
- Création d'un gif :



Introduction de l'aléatoire

Pour chaque individu infecté:

-Incrémentation aléatoire du compteur de guérison

-Représente les différences immunitaires de chacun face à la maladie

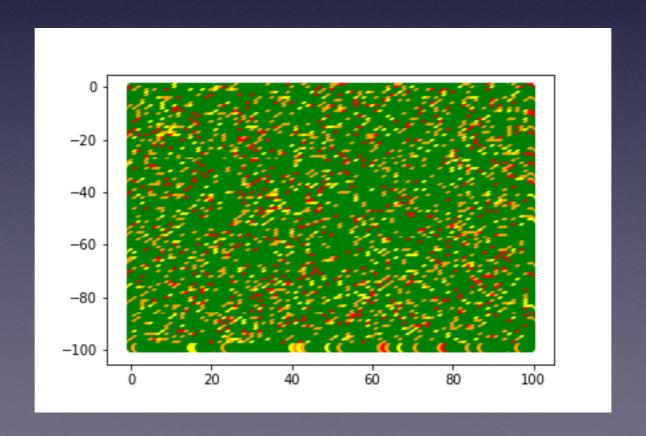
Comportements

4 comportements différents:

- -Comportements « normaux » et adaptatifs face au seuil épidémique (vert)
- -Comportements « normaux » et non-adaptatifs face au seuil épidémique (jaune)
- -Comportements « anormaux » et adaptatifs face au seuil épidémique (orange)
- -Comportements « anormaux » et non-adaptatifs face au seuil épidémique (rouge)

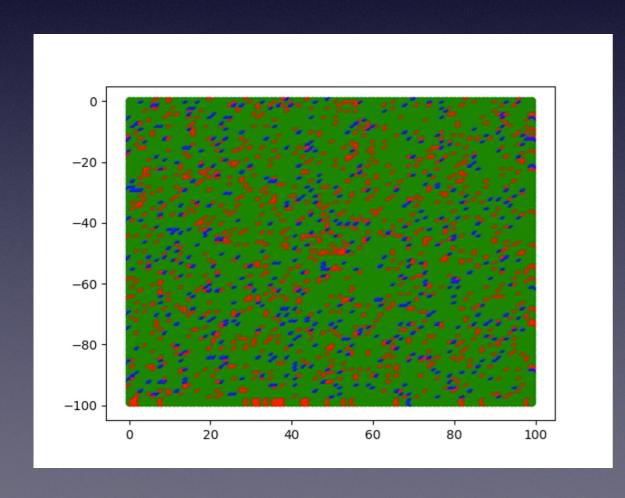
Comportements

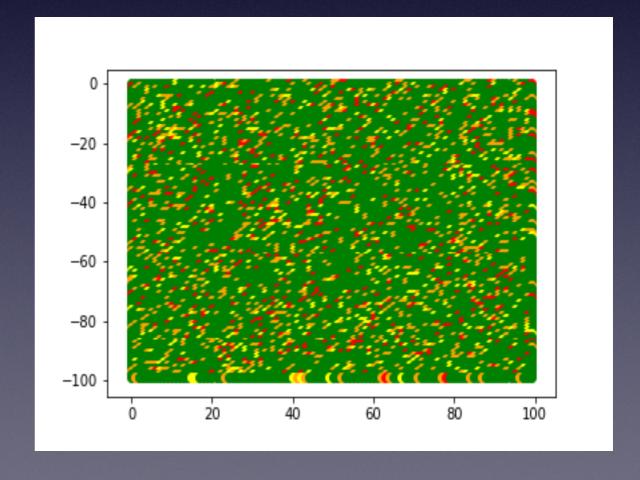
-Modélisation par une matrice -Génération des comportements suivant une probabilité -Affichage point par point:



Simulations

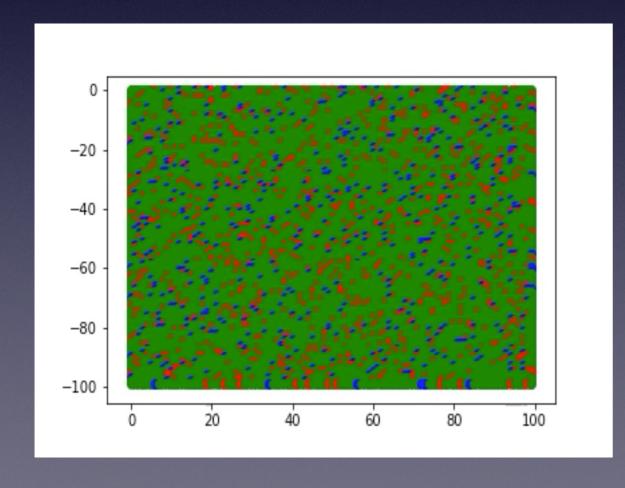
-Expérience « témoin » :

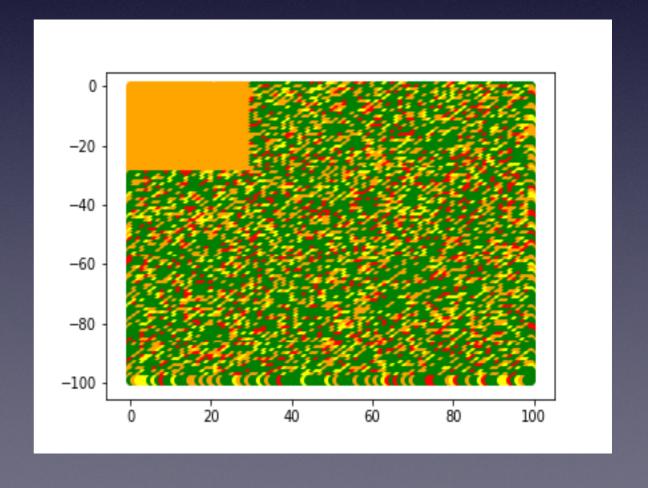




Simulations

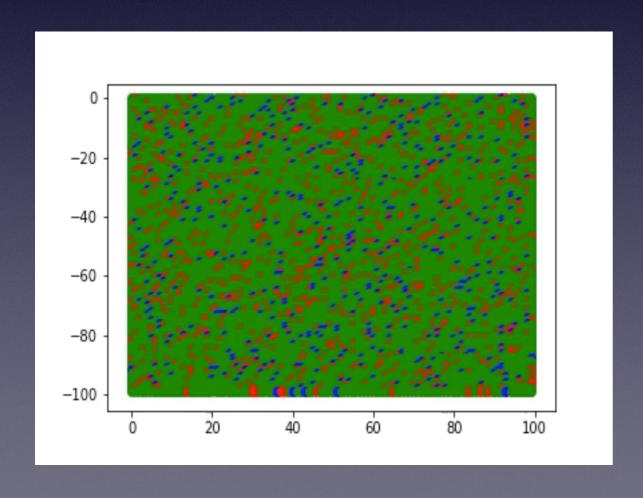
-Expérience avec cluster de comportements « normaux » et non-adaptatifs face au seuil épidémique (jaune):

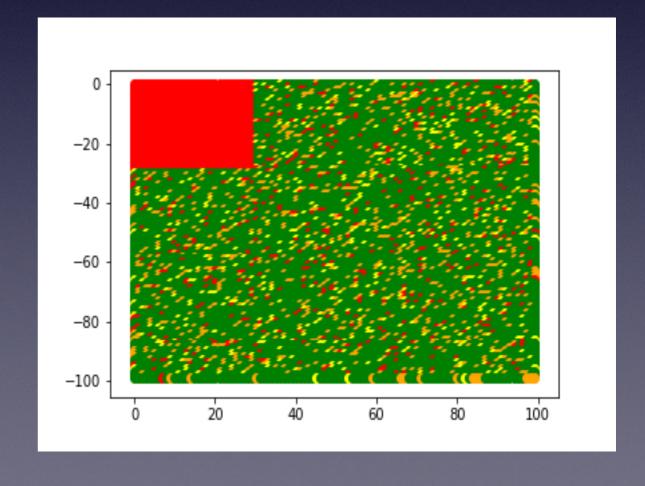




Simulations

-Expérience avec cluster de comportements « anormaux » et non-adaptatifs face au seuil épidémique (rouge):





Conclusion

-Les clusters ne permettent pas de montrer un impact sur la propagation de la maladie à l'échelle globale

-La maladie se comporte tout de même de manière différente à l'intérieur de ceux-ci