## Ce notebook s'agit d'une ACP pour sst

## **Charger les données :**

on change l'index pour qu'il soit les noms puis on supprime cette variable:

```
sst<-read.csv('data_acp_time-series-sst.csv',header = T)
rownames(sst)<-sst$index
sst$index<-NULL
#str(sst) # donne 656 obs et 288 variables</pre>
```

## **Charger les libraires:**

```
library("FactoMineR")
## Warning: package 'FactoMineR' was built under R version 3.4.2
library("factoextra")
## Warning: package 'factoextra' was built under R version 3.4.2
## Loading required package: ggplot2
## Welcome! Related Books: `Practical Guide To Cluster Analysis in R` at https://goo.gl/13EFCZ
library("qtlcharts")
## Warning: package 'qtlcharts' was built under R version 3.4.2
```

# Corrélation entre les variables : on choisit que les variables numériques

La table de corrélation montre l'existence de plusieurs variables qui sont corrélées entre eux. Ceci est une bonne nouvelle dans le sens où l'ACP nécessite que les variables soient corrélées afin d'extraire de l'information contenue dans l'inertie totale.

On peut donc commencer l'analyse en composantes principales.

## **ACP**

on va utiliser toutes les variables quantitatives ( 288 mois) pour effectuer notre ACP. Ainsi que tous les individus (656 individus).

```
res.pca=PCA(sst,graph=FALSE,scale.unit = FALSE)
print(res.pca)
## **Results for the Principal Component Analysis (PCA)**
## The analysis was performed on 656 individuals, described by 288 variables
## *The results are available in the following objects:
##
##
                         description
      name
## 1
      "$eig"
                         "eigenvalues"
     "$var"
                         "results for the variables"
## 2
     "$var$coord"
                         "coord. for the variables"
## 3
     "$var$cor"
                         "correlations variables - dimensions"
## 4
                         "cos2 for the variables"
## 5 "$var$cos2"
## 6
     "$var$contrib"
                         "contributions of the variables"
## 7 "$ind"
                         "results for the individuals"
## 8
     "$ind$coord"
                         "coord. for the individuals"
## 9 "$ind$cos2"
                         "cos2 for the individuals"
## 10 "$ind$contrib"
                         "contributions of the individuals"
## 11 "$call"
                         "summary statistics"
## 12 "$call$centre"
                         "mean of the variables"
## 13 "$call$ecart.type" "standard error of the variables"
## 14 "$call$row.w"
                         "weights for the individuals"
## 15 "$call$col.w"
                         "weights for the variables"
```

res.pca est un objet qui contient plusieurs variables à analyser. Dans ce qui suit on va analyser chaque attribut de cette objet.

```
eig.val<-get_eigenvalue(res.pca)</pre>
head(eig.val)
          eigenvalue variance.percent cumulative.variance.percent
##
## Dim.1 3530.987713
                           88.4303476
                                                          88.43035
## Dim.2 390.007182
                            9.7673720
                                                          98.19772
## Dim.3
         23.104044
                            0.5786196
                                                          98.77634
## Dim.4
         10.835955
                            0.2713766
                                                          99.04772
## Dim.5
            6.745755
                            0.1689412
                                                          99.21666
## Dim.6
         4.605448
                            0.1153392
                                                          99.33200
```

D'après les résultats ci-dessus, on peut conserver 2 axes principales vu qu'ils expliquent 98.19% de l'inertie totale contenue dans notre jeu de données. A noter qu'ici on n'a pas le droit d'utiliser le critère de Kaîser pour choisir le nombre d'axe à conserver, car les données ne sont pas normalisées. On préfére la normalisation dans le cas où les variables sont hétérogénes.

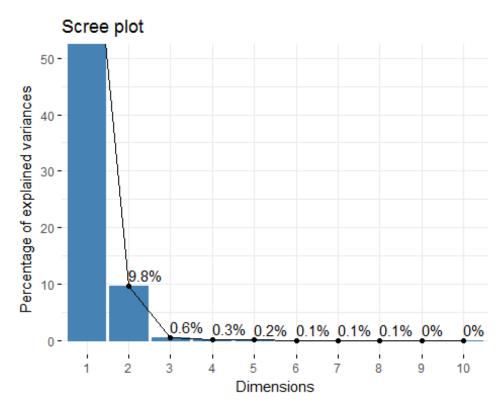
\_\_\_\_\_\_

Critére de Kaiser (1961): est utilisé pour déterminer le nombre d'axes principaux à gardr après l'ACP. Une valeur propre> 1===> la CP en question represente plus de variance par rappot à une seule variable d'origine. Ceci est valable que si les données sont normalisées.

\_\_\_\_\_\_

\_\_\_\_\_\_

Afin de bien justifier notre choix on peut fournir les diagrammes suivants :



On peut, à partir du graph, se limiter à 2 composantes principales, soit 98.19% de la variance totale. Après ces deux axes, la variance cumulée ne change pas beaucoup.

## **Etude des variables:**

Corrélation avec les CPs, Qualité de représentation, contributions aux CPs et cercles de corrélations.

#### **Decription des dimensions:**

dimdesc: est utilisée pour identifier les variables les plus significativement associées avec une CP donnée.

```
res.desc<-dimdesc(res.pca, axes=c(1,2), proba=0.05)
print('=====pour Dim.1======')
## [1] "=====pour Dim.1======"</pre>
```

```
res.desc$Dim.1$quanti[1:10,]
##
            correlation p.value
## X2013 11
             0.9901403
## X1997 10
             0.9897789
                             0
                             0
## X2010 10
            0.9891522
## X2003 10
                             0
            0.9888726
## X2012 10
             0.9886525
                             0
## X1999 5
             0.9885681
                             0
## X2001 11
             0.9884227
                             0
## X2009 10 0.9883685
                             0
## X2011 11
             0.9882887
                             0
                             0
## X2001 10
             0.9881368
print('=====pour Dim.2=====')
## [1] "====pour Dim.2====="
res.desc$Dim.2$quanti[1:5,]
##
           correlation
                           p.value
## X2006 2
             0.5559942 1.698791e-54
             0.5522167 1.233108e-53
## X2010 2
## X2003 2 0.5449528 5.197615e-52
## X2011 2
            0.5368994 2.960573e-50
## X2013_2
            0.5229753 2.495742e-47
tail(res.desc$Dim.2$quanti)
          correlation
##
                           p.value
## X2014 7 -0.4085847 8.716682e-28
## X2002 7 -0.4247202 4.101725e-30
## X1997 8 -0.4316750 3.717525e-31
## X1994 8 -0.4371488 5.399647e-32
## X1994 7 -0.4523604 2.099455e-34
## X2002 8 -0.4788597 6.635456e-39
```

Conclusion : - Les variables les plus corrélées avec la Dim.1 (CP1) sont les mois suivantes : 2013\_11,1997\_10,2010\_10,2003\_10,2012\_10,1999\_5,2001\_11==> Dim1 peut être interprété comme étant la moyenne de sst sur ces mois. Remarque: Le premier axe prinicipale est très corrélés avec les mois 10,11 et 5. Intérprétation :

 Les variables les plus corrélées positivement avec Dim.2 (CP2) sont les mois suivantes : 2006\_2,2010\_2,2003\_2, 2011\_2 et 2013\_2. On voit également ici que cet axe corréle fortement avec le mois 2.

Interprétation : - Les variables les plus corrélées négativement avec Dim.2 sont les mois suivantes : 2014\_7,2002\_7,1997\_8, 1994\_8 et 1994\_7. L'axe principale 2 corréle négativement avec les mois 7 et 8.

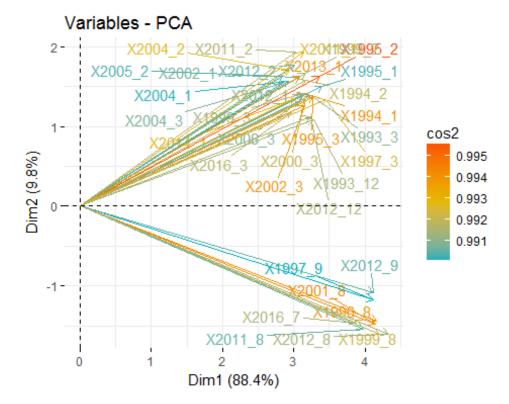
Intérprétation:

```
a.2 information générales sur les variables :
var<- get pca var(res.pca)</pre>
print('====== Coordonnées des dim :========')
## [1] "======= Coordonnées des dim :======="
head(var$coord)
##
                                     Dim.3
              Dim.1
                         Dim.2
                                                 Dim.4
                                                             Dim.5
## X1993 1 3.409211 1.3504778 -0.19625912 -0.05089616
                                                       0.14363062
## X1993 10 3.714602 -0.3024453 -0.19761346 0.12381590 -0.31532102
## X1993 11 3.442797 0.4294414 -0.13124092 0.02223662 -0.23502949
## X1993 12 3.278771 1.0895486 -0.08401327 -0.05595490 -0.09383399
## X1993_2 3.353832 1.4909989 -0.07421820 -0.03852766 0.17532967
## X1993 3 3.232180 1.3895130 0.07582810 0.02069417 0.09274438
print('====== Qualité de représentation : =======')
## [1] "====== Qualité de représentation : ======="
head(var$cos2)
##
                           Dim.2
                                        Dim.3
               Dim.1
                                                     Dim.4
                                                                  Dim.5
## X1993 1 0.8531126 0.133866996 0.0028272115 1.901379e-04 0.0015142328
## X1993 10 0.9714321 0.006439938 0.0027492928 1.079297e-03 0.0069999314
## X1993 11 0.9648837 0.015012739 0.0014021378 4.025221e-05 0.0044967307
## X1993 12 0.8928044 0.098588751 0.0005861786 2.600222e-04 0.0007312308
## X1993 2 0.8254176 0.163134487 0.0004042146 1.089272e-04 0.0022558072
## X1993 3 0.8363835 0.154575108 0.0004603357 3.428551e-05 0.0006886357
print('====== Contributions des variables :=======')
## [1] "====== Contributions des variables :======="
head(var$contrib)
                          Dim.2
                                     Dim.3
##
               Dim.1
                                                Dim.4
                                                          Dim.5
## X1993 1 0.3291634 0.46762993 0.16671385 0.02390578 0.3058183
## X1993 10 0.3907764 0.02345423 0.16902271 0.14147694 1.4739247
## X1993_11 0.3356809 0.04728628 0.07455050 0.00456321 0.8188685
## X1993 12 0.3044570 0.30438315 0.03054976 0.02889409 0.1305238
## X1993 2 0.3185564 0.57000942 0.02384146 0.01369866 0.4557013
## X1993 3 0.2958659 0.49505405 0.02488699 0.00395211 0.1275101
```

#### a.3 : Les cercles de corrélations :

ci-dessous on fournit un cercle avec un gradient de couleurs.

```
fviz_pca_var(res.pca,
col.var="cos2",gradient.cols=c("#00AFBB","#E7B800","#FC4E07"),repel=T,select.
var = list(cos2=0.99))
```



->on représente les variables par leurs corrélation sur un cercle : -> Les variables positivement corréles sont regroupé par quart de cercle -> Les variables négativement corrélées sont positionnées sur les côtés opposés de l'origine du cercle ( quadrant opposés ) -> La distance entre les variables et l'origine mesure la qualité de représentation des variables. -> Et donc les variables les plus loin de l'origine sont les bien représentés par l'ACP

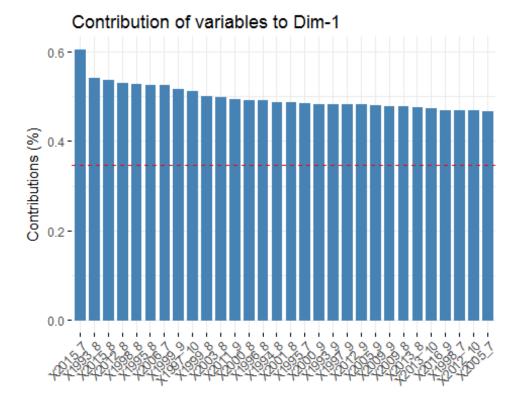
## Rq:

- Comme représenté sur la figure ci-dessus, les mois les plus bien représenté sont généralement les mois : 2,3 et 8.
- Les mois froids sont en bas à droite Les mois chauds sont en hauts à droite.

## a.4: Contributions des variables aux axes principaux

#### Pour la dim.1:

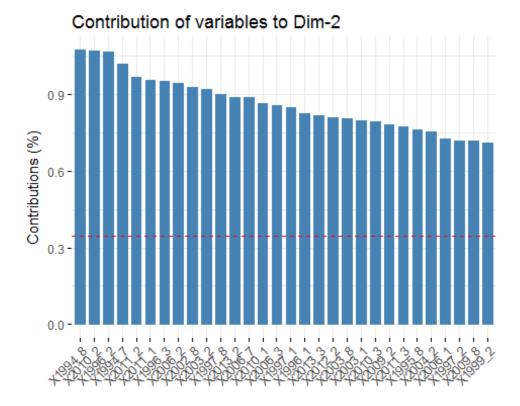
fviz\_contrib(res.pca,choice="var", axes=1,top=30)



On voir que les mois 7 et 8 contribuent le plus à la dimension 1.

Pour la dim.2:

fviz\_contrib(res.pca,choice="var", axes=2,top=30)



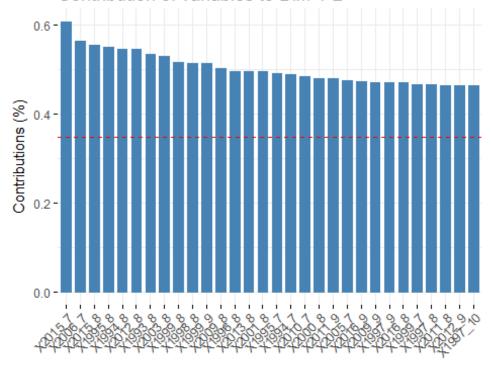
On voir que 8,2 et 7 sont les mois les plus contributifs à la dimension 2.

RQ : La ligne en pointillé rouge indique la contribution en moyenne attendue. si une variable dépasse ce seuil ==> elle est importante pour contribuer à la composante.

Notez que la contribution totale à PC1 et PC2 peut être obtenu avec le code R suivant:

fviz\_contrib(res.pca,choice="var", axes=1:2,top=30)





Généralement, les

mois les plus contributifs sont les mois de l'hiver. ###b. Etude des individus :

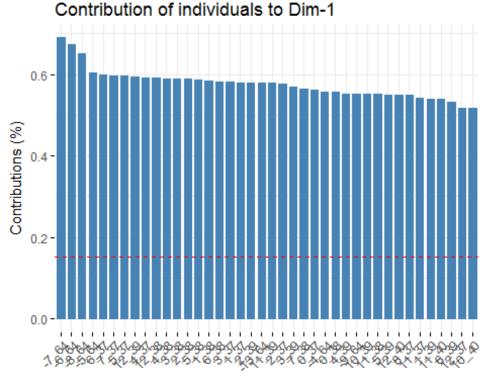
```
ind<-get pca ind(res.pca)</pre>
print('====== Coordonnées des individus :========')
## [1] "====== Coordonnées des individus :========"
head(ind$coord)
##
             Dim.1
                      Dim.2
                                  Dim.3
                                            Dim.4
                                                      Dim.5
## -10_37 86.41839 22.24163 -0.55855108 2.2227634 -2.278238
## -10_38 81.81027 21.78118 -0.33371766 1.9373061 -1.804081
## -10 39 74.60298 19.19265 -0.28009448 1.6535489 -1.466811
## -10_40 68.36049 18.06186 -0.20644183 1.7878614 -1.660740
## -10 41 60.28080 17.88297 -0.06098609 1.0923526 -1.437483
## -10_42 50.70963 17.77450 0.16908443 0.7182815 -1.192142
print('====== Qualité de représentation des individus:======')
## [1] "====== Qualité de représentation des individus:======"
head(ind$cos2)
##
              Dim.1
                         Dim.2
                                      Dim.3
                                                   Dim.4
                                                                Dim.5
## -10 37 0.9283807 0.06149602 3.878283e-05 0.0006141864 0.0006452263
## -10 38 0.9252896 0.06558805 1.539644e-05 0.0005188700 0.0004499600
## -10_39 0.9295906 0.06152468 1.310354e-05 0.0004566816 0.0003593583
## -10 40 0.9256993 0.06462263 8.442187e-06 0.0006331801 0.0005463396
```

```
## -10_41 0.9093730 0.08003193 9.307767e-07 0.0002986137 0.0005171177
## -10_42 0.8797211 0.10808337 9.780733e-06 0.0001765036 0.0004862060
print('====== Contributions des individus :======')
## [1] "====== Contributions des individus :======"
head(ind$contrib)
##
                        Dim.2
                                     Dim.3
                                                 Dim.4
              Dim.1
                                                            Dim.5
## -10 37 0.3224128 0.1933556 2.058420e-03 0.069504905 0.11729080
## -10 38 0.2889453 0.1854327 7.347956e-04 0.052798971 0.07354912
## -10 39 0.2402771 0.1439771 5.176274e-04 0.038464762 0.04861989
## -10 40 0.2017485 0.1275113 2.811924e-04 0.044967285 0.06232593
## -10_41 0.1568765 0.1249980 2.453972e-05 0.016786289 0.04669507
## -10_42 0.1110148 0.1234862 1.886320e-04 0.007258022 0.03211602
```

On va utiliser des graphiques pour rapidement identifier les individus qui contribuent très bien à une telle Dimension principale.

->Contribution totale des individus sur PC1:

```
fviz_contrib(res.pca,choice="ind", axes=1,top = 40)
```

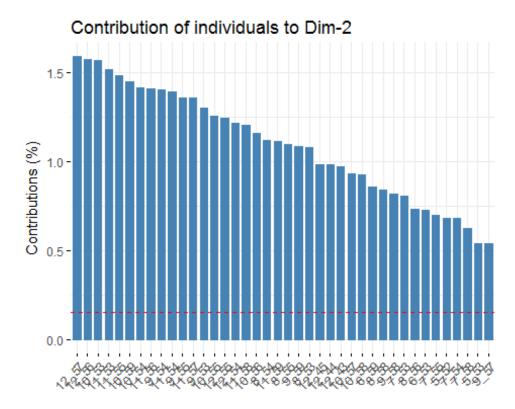


Donc la région qui

contribue le plus à la définiton du premier axe principale est la région comprise entre : -13=<lon<=12 et 37=<lat<64.

## Contribution totale des individus sur PC2:

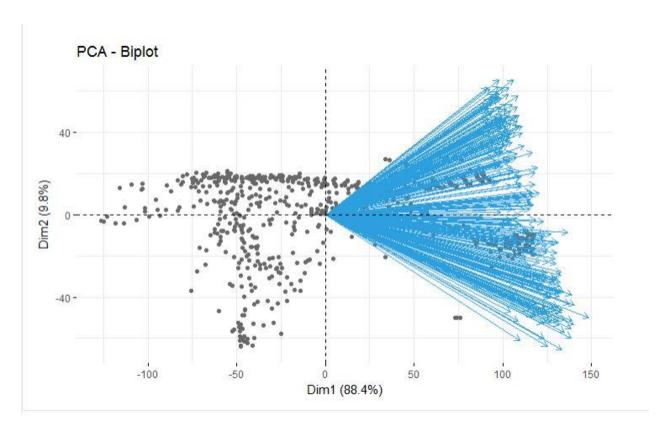
fviz\_contrib(res.pca,choice="ind", axes=2,top=40)



Donc la région qui contribue le plus à la définition du premier axe principale est la région comprise entre : 5=<lon<=12 et 43=<lat<=59

## Biplot:

Pour raison de lisibilité, j'ai supprimé tous les textes. Donc la figure ne contient que la représentation des variables (les flèches en bleu) ainsi que la nuage des individus (les points en noires).



Globalement un biplot peut être interprété comme suit : ->un individu qui se trouve du même côté d'une variable donnée a une valeur élevée pour cette variable ->un individu qui se trouve sur le côté opposé d'une variable donnée a une faible valeur pour cette variable.

NB: il faut se méfier des individus proches de l'origine : mal représentés, ou proches de la moyenne car ils sont mal représentés. Commentaire pour notre jeu de données :

- Pour le quart du cercle en haut à droite : ces couple lon/lat (points noires) ont généralement de grandes valeurs de sst pendant ces mois qui sont sur le même quart.
- Pour le quart du cercle en bas à gauche : ces couple lon/lat ont généralement des petites valeurs de sst pendant les mêmes mois que le cas précédent.
- Pour le quart du cercle en bas à droite : ces couple lon/lat (points noires) ont généralement de grandes valeurs de sst pendant ces mois qui sont sur le même quart.
- Pour le quart du cercle en haut à gauche : ces couple lon/lat ont généralement des petites valeurs de sst pendant les mêmes mois que le cas précédent.

D'après le graphiques des variables toutes seules qu'on a présenté dans le section "Les cercles de corrélations", on peut fournir les conclusions suivantes: - Le nuage de points en haut à droite sont des zones chaudes pendant les mois froids. - Le nuage de points en bas à gauches sont des zones froides pendant les mois froids. - Le nuage de points en bas à droite sont des zones chaudes pendant les mois chauds. - Le nuage de points en haut à gauche sont des zones foides pendant les mois chauds.