



Aluno: _____

Seed utilizado(CPF): _____

Trabalho Final

CLASSIFICAÇÃO

Veículo

Técnica	Parâmetro	Acurácia	Matriz de Confusão
RNA – Hold-out	size=XX decay=XX		
RNA – CV	size=XX decay=XX		
RNA – Melhor modelo	size=XX decay=XX		
KNN	k=XX		
KNN – Melhor modelo	K=XX		
SVM – Hold-out	C=XX Sigma=XX		
SVM – CV	C=XX Sigma=XX		
SVM – Melhor modelo	C=XX Sigma=XX		
RF – Hold-out	mtry=XX		
RF – CV	mtry=XX		
RF – Melhor modelo	mtry=XX		

Obs: Ordenar pela Acurácia (descendente)

Colocar um resultado com 3 linhas com a predição de novos casos para a técnica/parâmetro de maior Acurácia

Após o quadro, colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Imposto de Renda

Técnica	Parâmetro	Acurácia	Matriz de Confusão
RNA – Hold-out	size=XX decay=XX		
RNA – CV	size=XX decay=XX		
RNA – Melhor modelo	size=XX decay=XX		
KNN	k=XX		
SVM – Hold-out	C=XX Sigma=XX		
SVM – CV	C=XX Sigma=XX		
SVM – Melhor modelo	C=XX Sigma=XX		
RF – Hold-out	mtry=XX		
RF – CV	mtry=XX		
RF – Melhor modelo	mtry=XX		

Obs: Ordenar pela Acurácia (descendente)

Colocar um resultado com 3 linhas com a predição de novos casos para a técnica/parâmetro de maior Acurácia

Após o quadro, colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Diabetes

Técnica	Parâmetro	Acurácia	Matriz de Confusão
RNA – Hold-out	size=XX decay=XX		
RNA – CV	size=XX decay=XX		
RNA – Melhor modelo	size=XX decay=XX		
KNN	k=XX		
SVM – Hold-out	C=XX Sigma=XX		
SVM – CV	C=XX Sigma=XX		
SVM – Melhor modelo	C=XX Sigma=XX		
RF – Hold-out	mtry=XX		
RF – CV	mtry=XX		
RF – Melhor modelo	mtry=XX		

Obs: Ordenar pela Acurácia (descendente)

Colocar um resultado com 3 linhas com a predição de novos casos para a técnica/parâmetro de maior Acurácia

Após o quadro, colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Banco

Técnica	Parâmetro	Acurácia	Matriz de Confusão
RNA – Hold-out	size=XX decay=XX		
RNA – CV	size=XX decay=XX		
RNA – Melhor modelo	size=XX decay=XX		
KNN	k=XX		
SVM – Hold-out	C=XX Sigma=XX		
SVM – CV	C=XX Sigma=XX		
SVM – Melhor modelo	C=XX Sigma=XX		
RF – Hold-out	mtry=XX		
RF – CV	mtry=XX		
RF – Melhor modelo	mtry=XX		

Obs: Ordenar pela Acurácia (descendente)

Colocar um resultado com 3 linhas com a predição de novos casos para a técnica/parâmetro de maior Acurácia

Após o quadro, colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Previsão do Tempo

Técnica	Parâmetro	Acurácia	Matriz de Confusão
RNA – Hold-out	size=XX decay=XX		
RNA – CV	size=XX decay=XX		
RNA – Melhor modelo	size=XX decay=XX		
KNN	k=XX		
SVM – Hold-out	C=XX Sigma=XX		
SVM – CV	C=XX Sigma=XX		
SVM – Melhor modelo	C=XX Sigma=XX		
RF – Hold-out	mtry=XX		
RF – CV	mtry=XX		
RF – Melhor modelo	mtry=XX		

Obs: Ordenar pela Acurácia (descendente)

Colocar um resultado com 3 linhas com a predição de novos casos para a técnica/parâmetro de maior Acurácia

Após o quadro, colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

REGRESSÃO

Biomassa

Técnica	Parâmetro	R2	Syx	Pearson	Rmse	MAE
RNA – Hold-out	size=XX decay=XX					
RNA – CV	size=XX decay=XX					
RNA – Melhor modelo	size=XX decay=XX					
KNN	k=XX					
SVM – Hold-out	C=XX Sigma=XX					
SVM – CV	C=XX Sigma=XX					
SVM – Melhor modelo	C=XX Sigma=XX					
RF – Hold-out	mtry=XX					
RF – CV	mtry=XX					
RF – Melhor modelo	mtry=XX					

Observações:

- Ordenar por R2 descendente
- Colocar um resultado com 3 linhas com a predição de novos casos para a técnica/parâmetro de maior R2
- Colocar o Gráfico de Resíduos para a técnica/parâmetro de maior R2
- Após o quadro, colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Admissão

Técnica	Parâmetro	R2	Syx	Pearson	Rmse	MAE
RNA – Hold-out	size=XX decay=XX					
RNA – CV	size=XX decay=XX					
RNA – Melhor modelo	size=XX decay=XX					
KNN	k=XX					
SVM – Hold-out	C=XX Sigma=XX					
SVM – CV	C=XX Sigma=XX					
SVM – Melhor modelo	C=XX Sigma=XX					
RF – Hold-out	mtry=XX					
RF – CV	mtry=XX					
RF – Melhor modelo	mtry=XX					

Observações:

- Ordenar por R2 decedente
- Colocar um resultado com 3 linhas com a predição de novos casos para a técnica/parâmetro de maior R2
- Colocar o Gráfico de Resíduos para a técnica/parâmetro de maior R2
- Após o quadro, colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Alunos do Ensino Médio

Técnica	Parâmetro	R2	Syx	Pearson	Rmse	MAE
RNA – Hold-out	size=XX decay=XX					
RNA – CV	size=XX decay=XX					
RNA – Melhor modelo	size=XX decay=XX					
KNN	k=XX					
SVM – Hold-out	C=XX Sigma=XX					
SVM – CV	C=XX Sigma=XX					
SVM – Melhor modelo	C=XX Sigma=XX					
RF – Hold-out	mtry=XX					
RF – CV	mtry=XX					
RF – Melhor modelo	mtry=XX					

Observações:

- Ordenar por R2 decedente
- Colocar um resultado com 3 linhas com a predição de novos casos para a técnica/parâmetro de maior R2
- Colocar o Gráfico de Resíduos para a técnica/parâmetro de maior R2
- Após o quadro, colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos



AGRUPAMENTO

Íris

Lista de Clusters gerados:

10 primeiras linhas do arquivo com o cluster correspondente.

Colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Móveis

Lista de Clusters gerados:

10 primeiras linhas do arquivo com o cluster correspondente.

Colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Câncer de Mama

Lista de Clusters gerados:

10 primeiras linhas do arquivo com o cluster correspondente.

Colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Veículo

Lista de Clusters gerados:

10 primeiras linhas do arquivo com o cluster correspondente.

Colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Banco

Lista de Clusters gerados:

10 primeiras linhas do arquivo com o cluster correspondente.

Colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos



UFPR – Universidade Federal do Paraná
Setor de Educação Profissional e Tecnológica
Especialização em Inteligência Artificial Aplicada
Turma 2022



Disciplina: Laboratório de IA – Prof Jaime Wojciechowski

REGRAS DE ASSOCIAÇÃO

Lista de Compras

Regras geradas com 3 configurações de Suporte e Confiança.

Colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos

Musculação

Regras geradas com 3 configurações de Suporte e Confiança.

Colocar a lista de comandos emitidos no RStudio para conseguir os resultados obtidos