Transcription vs Metilation

Lucas Michel Todó

December 15, 2017

Contents

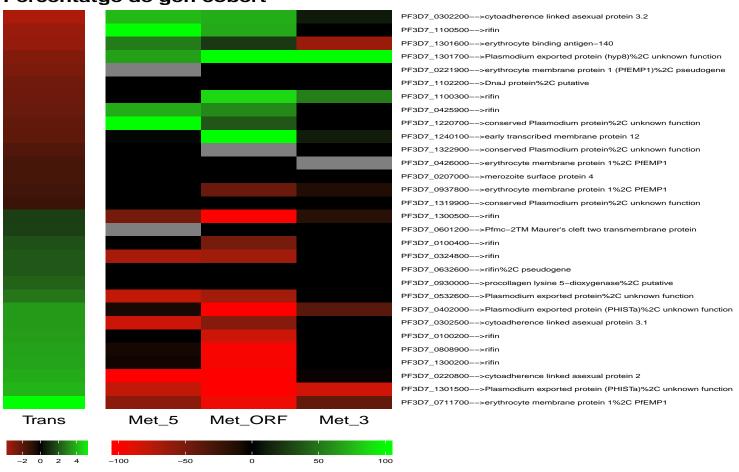
1	Hea	atmaps filtrats i ordenats per Transcripció	2
	1.1	Percentatge de gen covert	2
	1.2		3
	1.3		4
2	Hea	atmaps filtrats i ordenats per Metilació	5
	2.1	Percentatge de gen covert	5
		2.1.1 Percentatge de gen covert 5	5
		2.1.2 Percentatge de gen covert ORF	
		2.1.3 Percentatge de gen covert 3	
	2.2		
	2.2	2.2.1 Coverage 5	
		2.2.2 Coverage ORF	
		2.2.3 Coverage 3	
	2.3		
		2.3.1 Coverage en Pics 5	
		2.3.2 Coverage en Pics ORF	2
		2.3.3 Coverage en Pics 3	3
3	Anà	àlisi de correlació	4
	3.1		4
	3.2	Gràfics	
	J	Taula	

3.3.1	Filtrats per Transcripció	18
3.3.2	Filtrats per Metilació	18

1 Heatmaps filtrats i ordenats per Transcripció

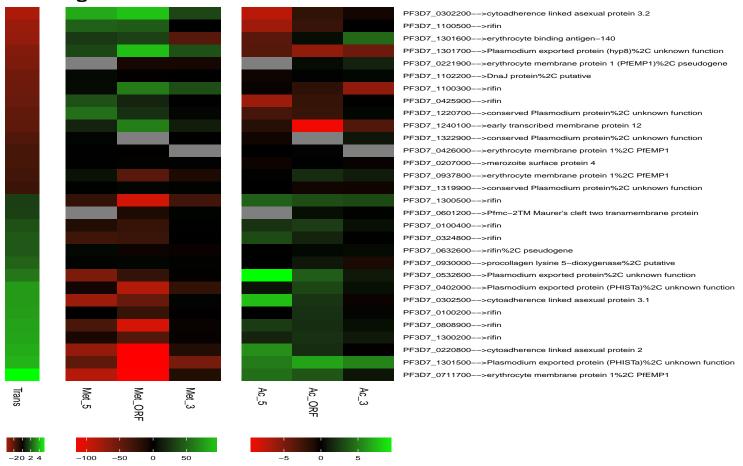
1.1 Percentatge de gen covert

Percentatge de gen cobert



1.2 Coverage

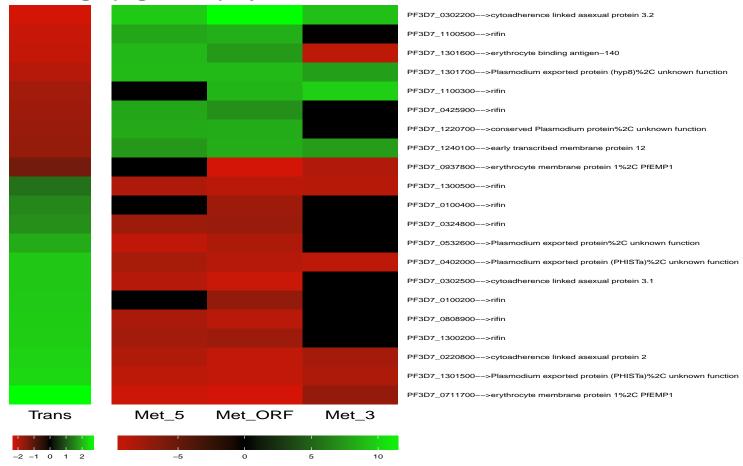
Coverage



1.3 Coverage en Pics

Aquest gràfic agafar amb pinces! (potser s'hauria de fer per separa 5'/ORF/3')

Coverage (log2 scale) a pics diferencials

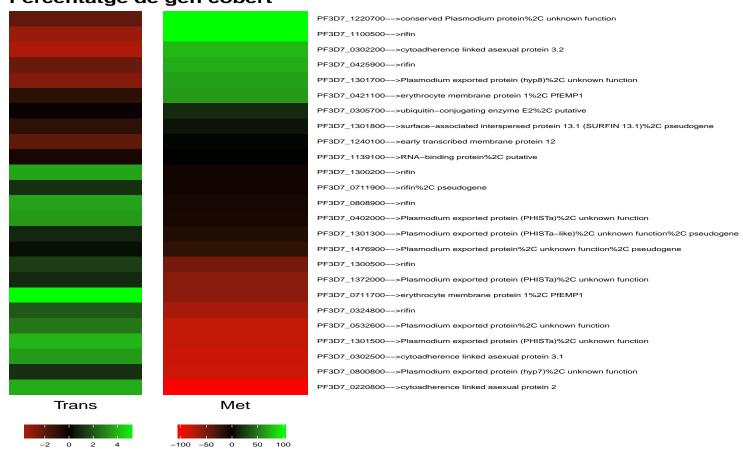


2 Heatmaps filtrats i ordenats per Metilació

2.1 Percentatge de gen covert

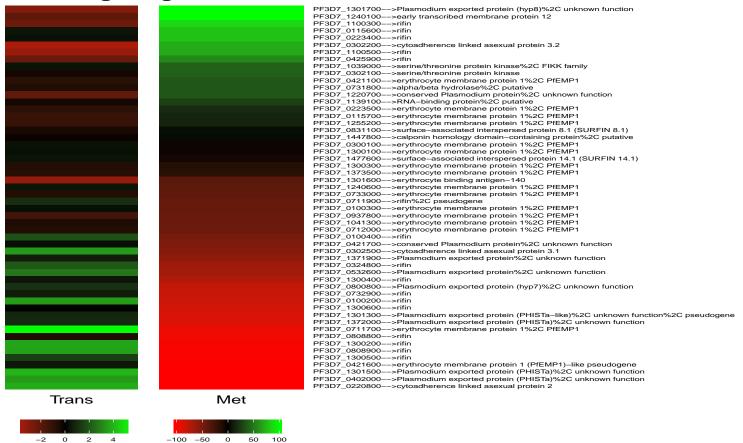
2.1.1 Percentatge de gen covert 5

Percentatge de gen cobert



2.1.2 Percentatge de gen covert ORF

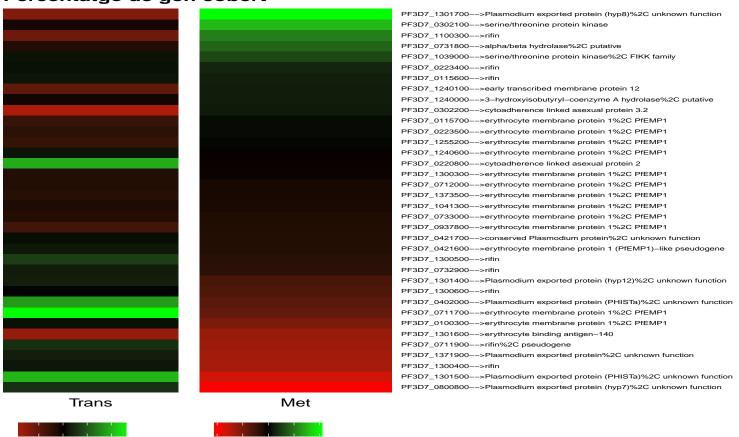
Percentatge de gen cobert



2.1.3 Percentatge de gen covert 3

-2 0 2

Percentatge de gen cobert

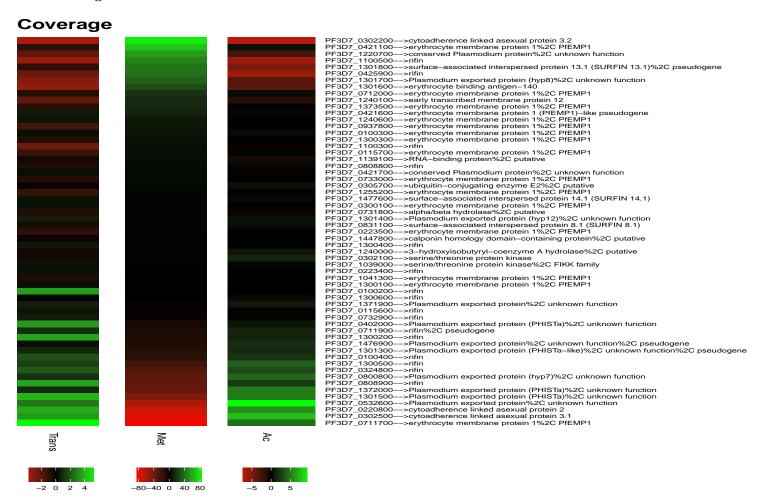


-100 -50 0

50 100

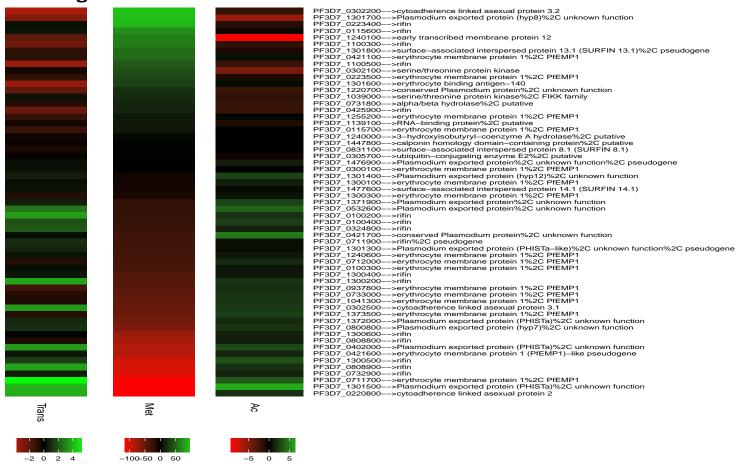
2.2 Coverage

2.2.1 Coverage 5



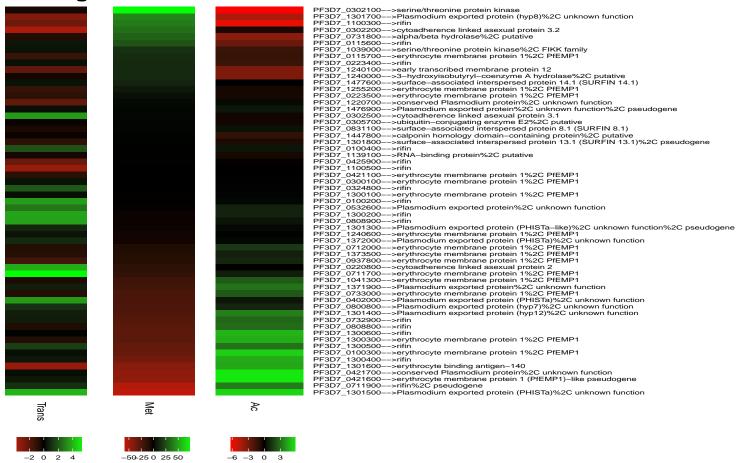
2.2.2 Coverage ORF

Coverage



2.2.3 Coverage 3

Coverage

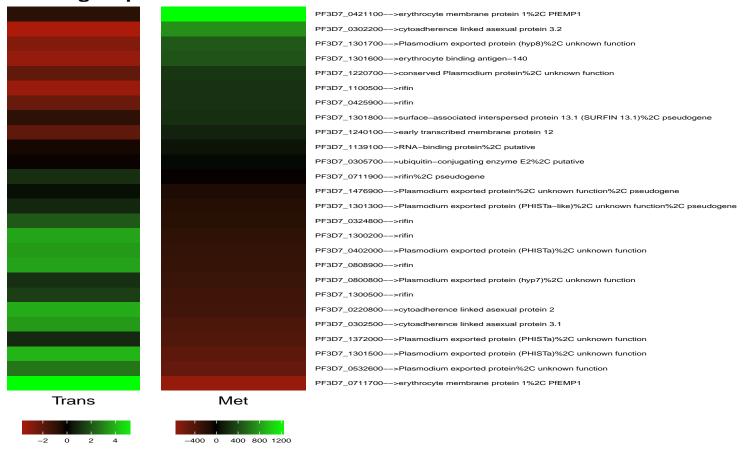


2.3 Coverage en Pics

S'han exclòs els 0s (gens als quals no hi ha pic a 5'/ORF/3').

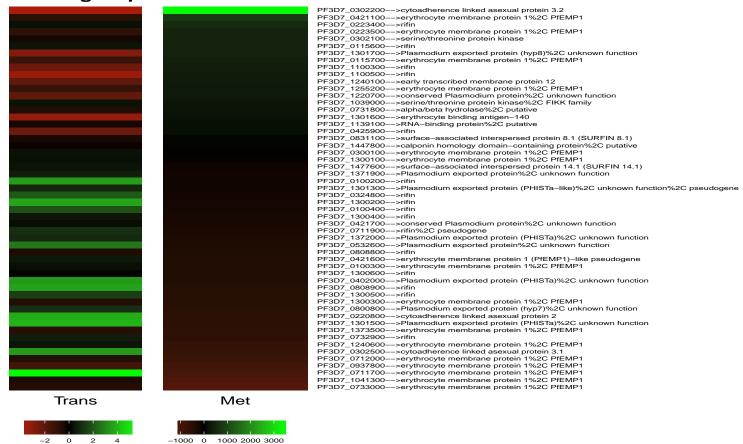
2.3.1 Coverage en Pics 5

Coverage a pics



2.3.2 Coverage en Pics ORF

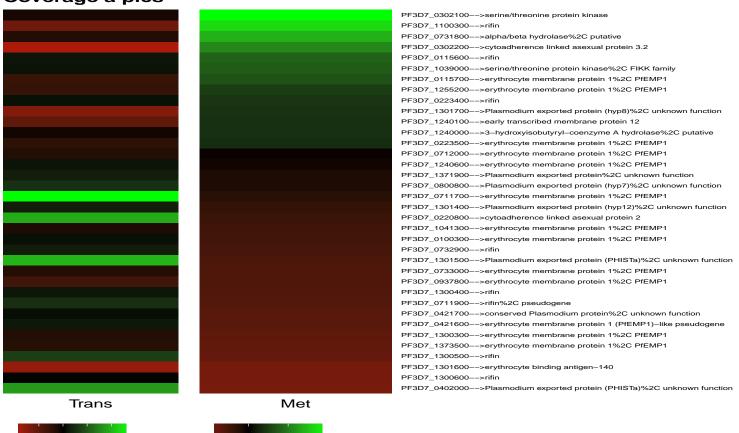
Coverage a pics



2.3.3 Coverage en Pics 3

-2 0 2

Coverage a pics



500

3 Anàlisi de correlació

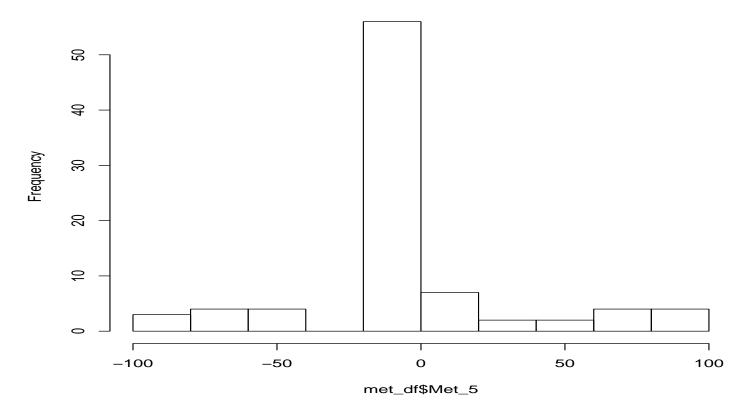
3.1 Shapiro-Wilk Normality Test

El test de Shapiro-Wilk parteix de l'hipòtesi nula que la distribució és normal. Un pval < 0.05 ens permet rebutjar la hipòtesi nula i per tant implica que la mostra no segueix una distribució nomal.

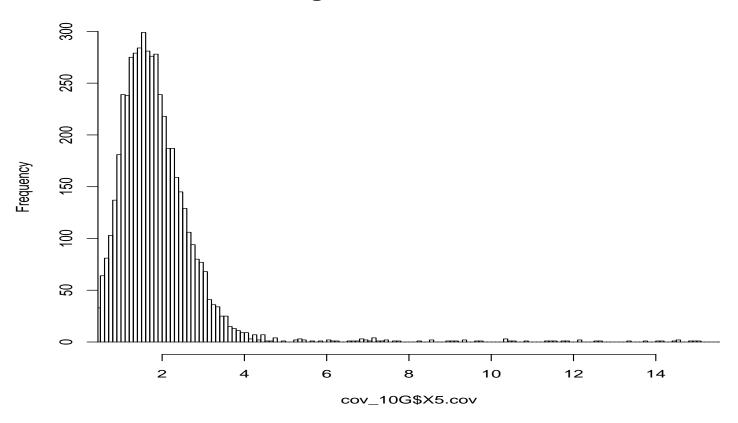
```
shapiro.test(met_df$Met_5)
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: met_df$Met_5
## W = 0.77954, p-value = 5.046e-10
shapiro.test(sample(cov_10G$X5.cov, 5000))
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: sample(cov_10G$X5.cov, 5000)
## W = 0.29205, p-value < 2.2e-16
shapiro.test(sample(Trans$`Dif_1.2-10`, 5000))
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: sample(Trans$`Dif_1.2-10`, 5000)
##
## Output
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: sample(Trans$`Dif_1.2-10`, 5000)</pre>
```

3.2 Gràfics

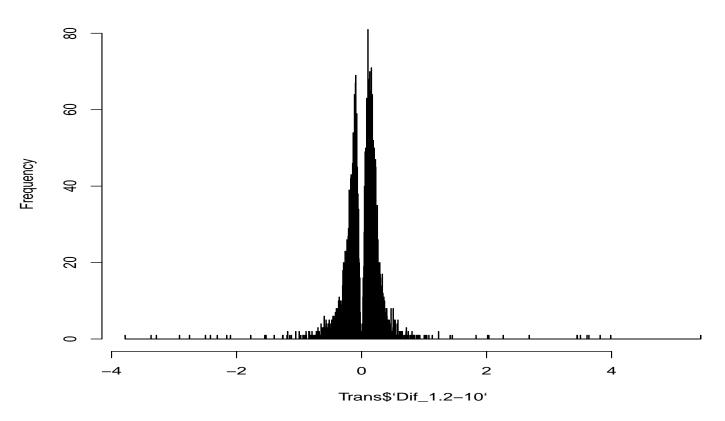
Histogram of met_df\$Met_5



Histogram of cov_10G\$X5.cov



Histogram of Trans\$'Dif_1.2-10'



3.3 Taula

3.3.1 Filtrats per Transcripció

P	ercentate	ge	Coverage			Coverage a Pics		
5'	ORF	3'	5'	ORF	3'	5'	ORF	3'
-0.832	-0.851	-0.458	-0.875	-0.836	-0.438	-0.859	-0.786	-0.394

3.3.2 Filtrats per Metilació

P	ercentatg	ge	Coverage			Coverage a Pics		
5'	ORF	3'	5'	ORF	3'	5'	ORF	3'
-0.819	-0.747	-0.549	-0.857	-0.655	-0.389	-0.886	-0.482	-0.314