Transcription vs Metilation

Lucas Michel Todó

December 13, 2017

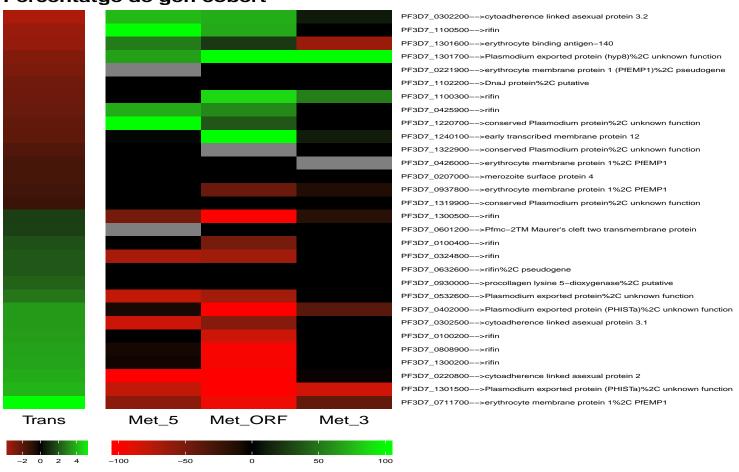
${\bf Contents}$

1	Hea	atmaps filtrats i ordenats per Transcripció	2
	1.1	Percentatge de gen covert	2
	1.2		3
	1.3		4
2	Hea	atmaps filtrats i ordenats per Metilació	5
	2.1	Percentatge de gen covert	5
		2.1.1 Percentatge de gen covert 5	
		2.1.2 Percentatge de gen covert ORF	
		2.1.3 Percentatge de gen covert 3	7
	2.2		
		2.2.1 Coverage 5	
		2.2.2 Coverage ORF	
		2.2.3 Coverage 3	
	2.3		
	2.0	2.3.1 Coverage en Pics 5	
		2.3.2 Coverage en Pics ORF	
		2.3.3 Coverage en Pics 3	Э
3	Anà	àlisi de correlació	4
	3.1	Shapiro-Wilk Normality Test	4
	3.2	Gràfics	
	3.3	Taula 1	

3.3.1	Filtrats per Transcripció	18
3.3.2	Filtrats per Metilació	18

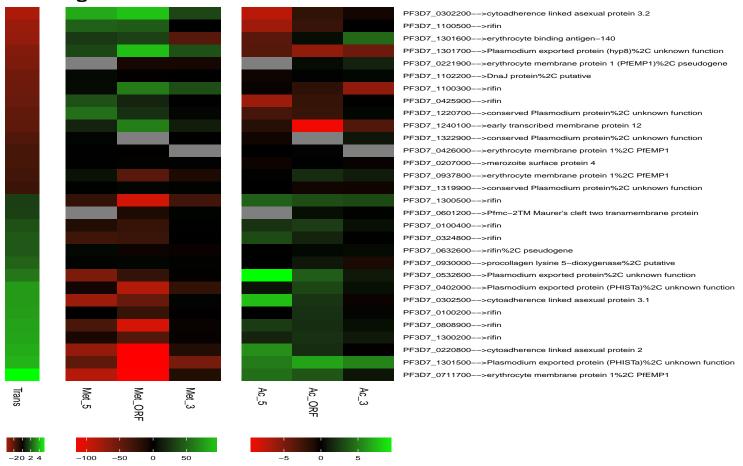
1 Heatmaps filtrats i ordenats per Transcripció

1.1 Percentatge de gen covert



1.2 Coverage

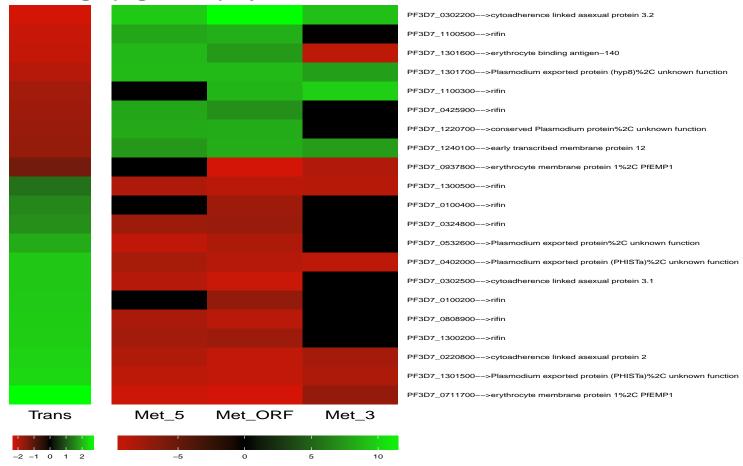
Coverage



1.3 Coverage en Pics

Aquest gràfic agafar amb pinces! (potser s'hauria de fer per separa 5'/ORF/3')

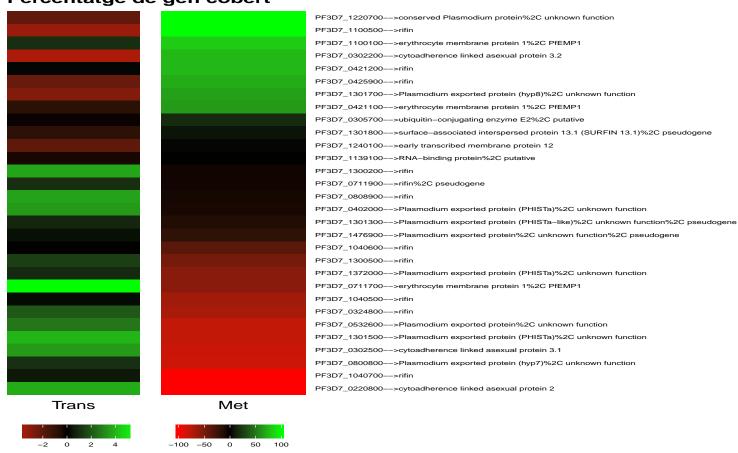
Coverage (log2 scale) a pics diferencials



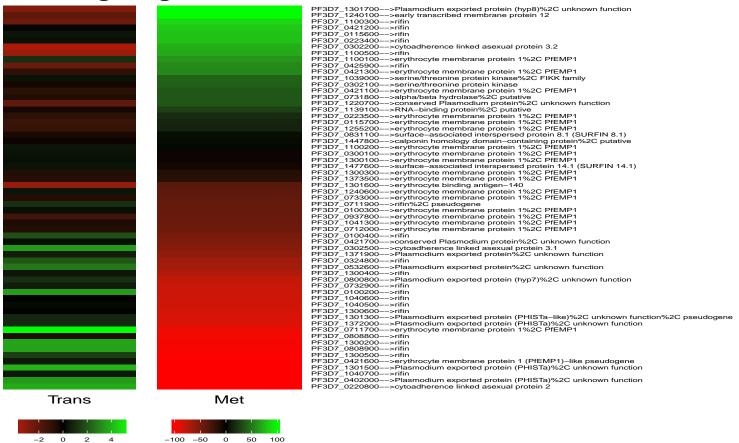
2 Heatmaps filtrats i ordenats per Metilació

2.1 Percentatge de gen covert

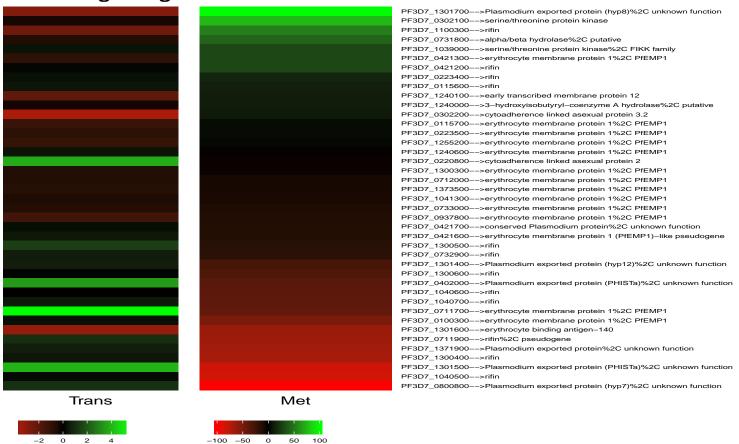
2.1.1 Percentatge de gen covert 5



2.1.2 Percentatge de gen covert ORF



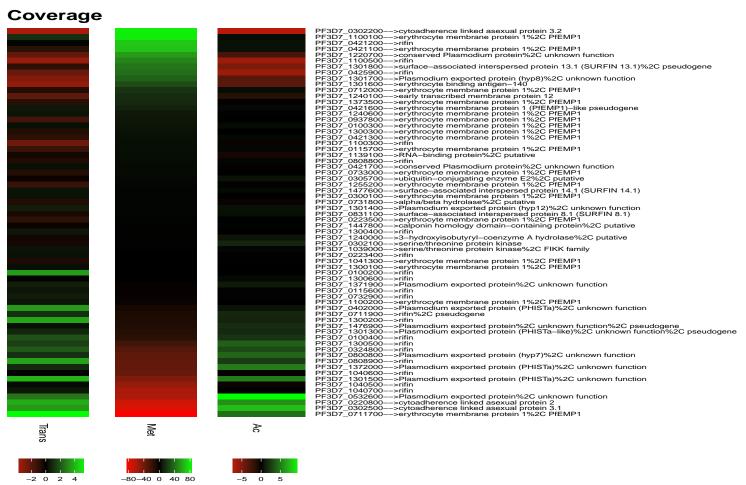
2.1.3 Percentatge de gen covert 3



Coverage

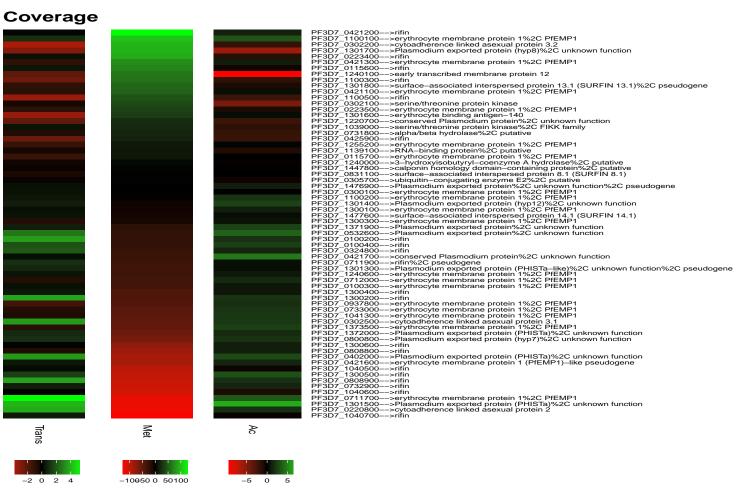
2.2.1 Coverage 5





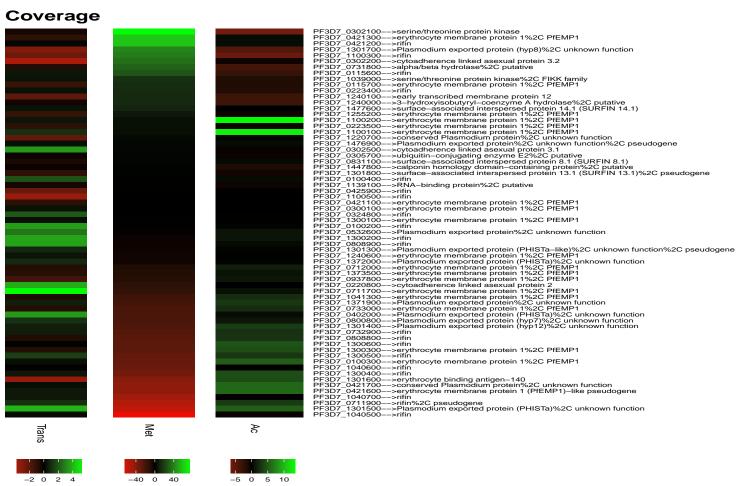
2.2.2 Coverage ORF

Coverage



2.2.3 Coverage 3

Coverage

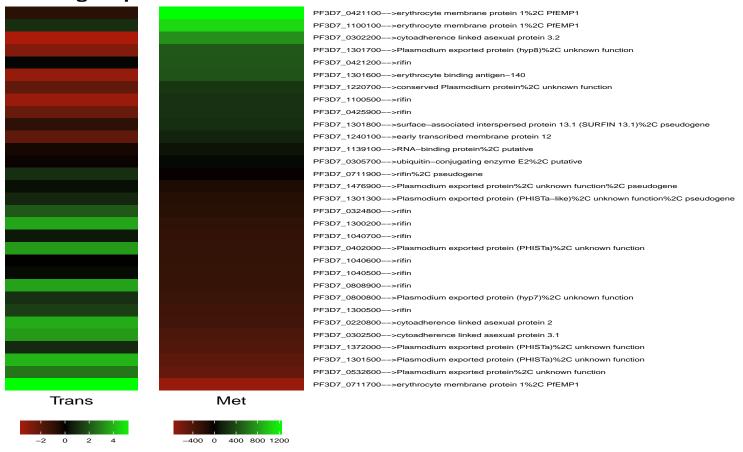


2.3 Coverage en Pics

S'han exclòs els 0s (gens als quals no hi ha pic a 5'/ORF/3').

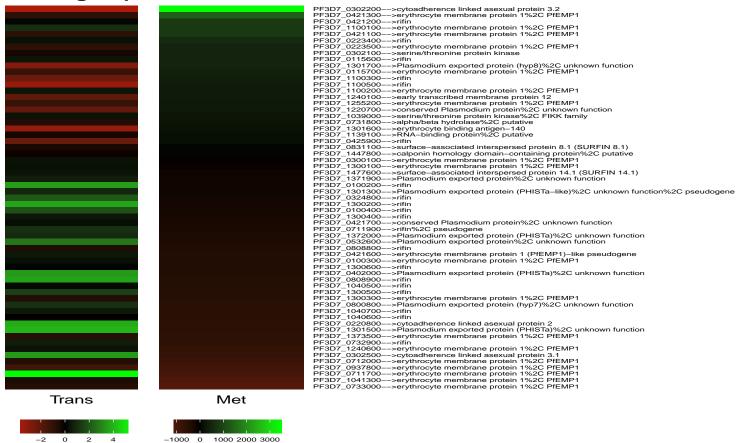
2.3.1 Coverage en Pics 5

Coverage a pics



2.3.2 Coverage en Pics ORF

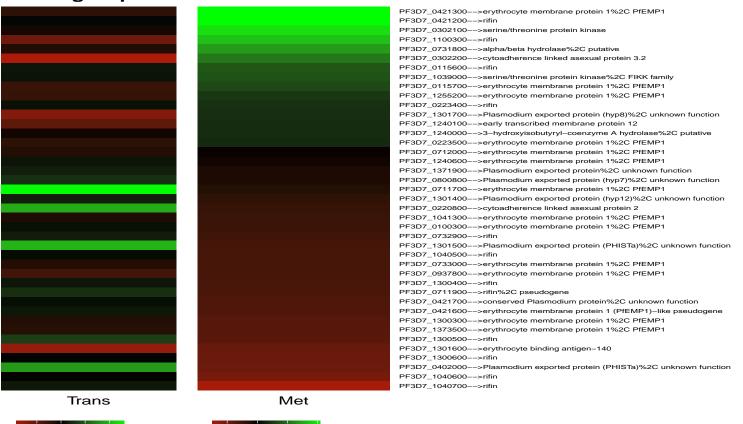
Coverage a pics



2.3.3 Coverage en Pics 3

-2 0 2

Coverage a pics



-500

О

500 1000

3 Anàlisi de correlació

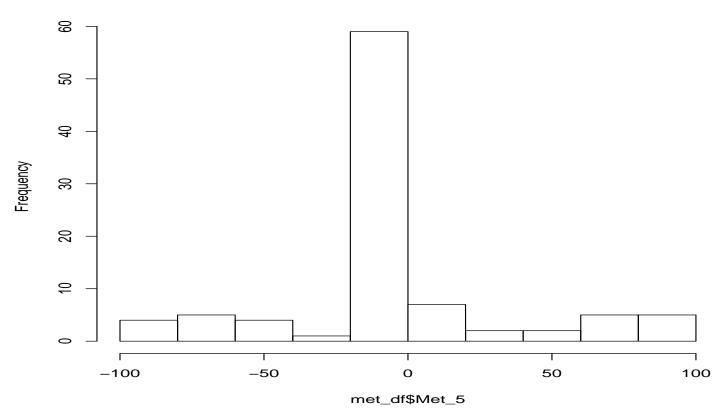
3.1 Shapiro-Wilk Normality Test

El test de Shapiro-Wilk parteix de l'hipòtesi nula que la distribució és normal. Un pval < 0.05 ens permet rebutjar la hipòtesi nula i per tant implica que la mostra no segueix una distribució nomal.

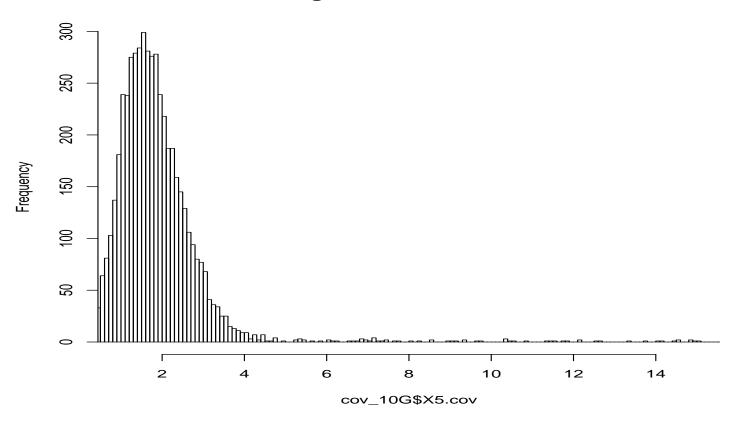
```
shapiro.test(met_df$Met_5)
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: met_df$Met_5
## W = 0.80658, p-value = 9.182e-10
shapiro.test(sample(cov_10G$X5.cov, 5000))
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: sample(cov_10G$X5.cov, 5000)
## W = 0.29795, p-value < 2.2e-16
shapiro.test(sample(Trans$`Dif_1.2-10`, 5000))
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: sample(Trans$`Dif_1.2-10`, 5000)
##
## Oat: sample(Trans$`Dif_1.2-10`, 5000)</pre>
```

3.2 Gràfics

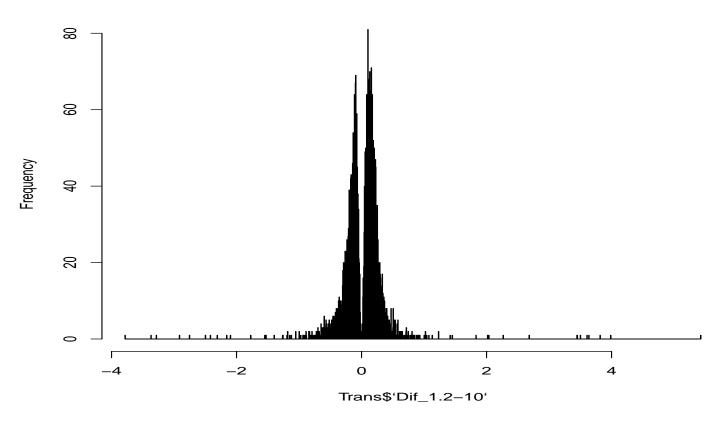
Histogram of met_df\$Met_5



Histogram of cov_10G\$X5.cov



Histogram of Trans\$'Dif_1.2-10'



3.3 Taula

3.3.1 Filtrats per Transcripció

P	ercentate	ge	Coverage			Coverage a Pics		
5'	ORF	3'	5'	ORF	3'	5'	ORF	3'
-0.832	-0.851	-0.458	-0.875	-0.836	-0.438	-0.859	-0.786	-0.394

3.3.2 Filtrats per Metilació

P	ercentatg	ge	Coverage			Coverage a Pics		
5'	ORF	3'	5'	ORF	3'	5'	ORF	3'
-0.705	-0.679	-0.536	-0.755	-0.579	-0.367	-0.79	-0.419	-0.324