

Laboratorio Biología Aplicada a la Salud

Datos paciente: NHC: 00027 **Nº biopsia:** 22B00027-C4 **Fecha:** 24-mar-2023 1 de 2

Tipo de cáncer de la muestra: Cáncer tiroideo

Resultados del informe

- 1 Biomarcadores relevantes
- 0 Tratamientos disponibles
- 1 Ensayos clínicos

Biomarcadores relevantes

Nivel Alteración genómica		Tratamientos relevantes (En este tipo de cáncer)	Tratamientos relevantes (En otro tipo de cáncer)	Ensayos clínicos	
IIC	HRAS p.(Q61R) c.182A>G	Ninguno	Ninguno	1	
	HRas proto-oncogene, GTPase				
	Frecuencia de alelo: 46.17%				

Fuentes de datos públicos incluidas en tratamientos pertinentes: FDA1, NCCN, EMA2, ESMO

Detalles de la variante

Variantes de secuencia de ADN									
Gen	Cambio de aminoácidos	Codificación	Exón	Frecuencia de alelo	Locus	Transcripto	ID de la variante	Efecto de la e variante	ClinVar ¹
HRAS	p.(Q61R)	c.182A>G	3	46.17%	chr11:533874	NM_001130442.2	COSM499	missense	
ALK	p.(D1529E)	c.4587C>G	29	50.58%	chr2:29416366	NM_004304.4		missense	Benign
ALK	p.(I1461V)	c.4381A>G	29	99.75%	chr2:29416572	NM_004304.4		missense	Benign
FGFR4	p.(P136L)	c.407C>T	4	49.90%	chr5:176517797	NM_213647.2		missense	

¹ Basado en la versión ClinVar 20180225

Resumen del tratamiento correspondiente

HRAS p.(Q61R) c.182A>G						
Tratamiento correspondiente	FDA	NCCN	EMA	ESMO	Ensayos clínicos*	
ASTX029	×	×	×	×	(/)	

^{*} Se muestra la fase más avanzada (IV, III, II/III, II, I/II, I) y puede haber varios ensayos clínicos disponibles.

Fdo. Dra. Smith Peterson, Palm (Bióloga Molecular) / Dr. García García, Juan (Jefe de Servicio)





Laboratorio Biología Aplicada a la Salud

Resumen de los ensayos clínicos

HRAS p.(Q61R) c.182A>G

ID NCT	Título	Fase
NCT03520075	A Phase I/II Study of the Safety, Pharmacokinetics, and Activity of ASTX029 in Subjects With Advanced Solid Tumors	1/11

Genes analizados

Genes Assayed for the Detection of DNA Sequence Variants

AKT1, ALK, AR, BRAF, CDK4, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ESR1, FGFR2, FGFR3, GNA11, GNAQ, HRAS, IDH1, IDH2, JAK1, JAK2, JAK3, KIT, KRAS, MAP2K1, MAP2K2, MET, MTOR, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RAF1, RET, ROS1, SMO

Genes Assayed for the Detection of Copy Number Variations

ALK, AR, BRAF, CCND1, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, KIT, KRAS, MET, MYC, MYCN, PDGFRA, PIK3CA

Genes Assayed for the Detection of Fusions

ALK, RET, ROS1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, BRAF, RAF1, ERG, ETV1, ETV4, ETV5, ABL1, AKT3, AXL, EGFR, ERBB2, PDGFRA, PPARG

El software Ion Torrent Oncomine Reporter de Thermo Fisher Scientific se utilizó en la generación de este informe. El software fue desarrollado y diseñado internamente por Thermo Fisher Scientific. El análisis se basó en Oncomine Reporter (5.6.0 versión de datos 2023.02(005)). Los datos aquí presentados proceden de una base de conocimientos seleccionada con información de acceso público, pero puede que no sean exhaustivos. La información de FDA se obtuvo en www.fda.gov con fecha de 2023-01-18. La información de NCCN se obtuvo en www.nccn.org con fecha de 2023-01-03. La información de EMA se obtuvo en www.ema.europa.eu/ema con fecha de 2023-01-18. La información de ESMO se obtuvo en www.esmo.org con fecha de 2023-01-03. La información de los ensayos clínicos tiene fecha de 2023-01-03. Para obtener información más actualizada sobre un ensayo específico, busque en www.clinicaltrials.gov por ID NCT o busque en el sitio web de referencia de ensayos clínicos segun identificador local en "Otros identificadores". Las variantes se indican de acuerdo con la nomenclatura HGVS y se clasifican según las directrices AMP/ASCO/CA (Li et al. 2017). Basándose en las fuentes de datos seleccionadas, las variantes, las terapias y los ensayos que se mencionan en este informe se enumeran en orden de posible relevancia clínica pero no en orden de eficacia prevista de las terapias.

Fdo. Dra. Smith Peterson, Palm (Bióloga Molecular) / Dr. García García, Juan (Jefe de Servicio)