

Datos paciente: NHC: 00025

Nº biopsia: 23C00025-A1

Fecha: 24-mar-2023

1 de 3

Tipo de cáncer de la muestra: Carcinoma pulmonar no microcítico

Resultados del informe

- 1 Biomarcadores relevantes
- 3 Tratamientos disponibles
- 3 Ensayos clínicos

Biomarcadores relevantes

Nivel	Alteración genómica	Tratamientos relevantes (En este tipo de cáncer)	Tratamientos relevantes (En otro tipo de cáncer)	Ensayos clínicos
IA	MET amplification MET proto-oncogene, receptor tyrosine kinase	capmatinib crizotinib tepotinib	Ninguno	3

Fuentes de datos públicos incluidas en tratamientos pertinentes: FDA¹, NCCN, EMA², ESMO

Biomarcadores de cáncer prevalente sin evidencia relevante basados en fuentes de datos incluidas

CDK6 amplification

Detalles de la variante

Variantes de secuencia de ADN

Gen	Cambio de aminoácidos	Codificación	Exón	Frecuencia de alelo	Locus	Transcripto	ID de la variante	Efecto de la variante	ClinVar ¹
ALK	p.(D1529E)	c.4587C>G	29	100.00%	chr2:29416366	NM_004304.4	.	missense	Benign
ALK	p.(I1461V)	c.4381A>G	29	99.95%	chr2:29416572	NM_004304.4	.	missense	Benign
KIT	p.(M541L)	c.1621A>C	10	81.00%	chr4:55593464	NM_000222.2	.	missense	Benign/Lik benign
FGFR4	p.(P136L)	c.407C>T	4	14.98%	chr5:176517797	NM_213647.2	.	missense	

¹ Basado en la versión ClinVar 20180225

Variaciones del número de copias

Gen	Locus	Número de copia	ClinVar ¹
CDK6	chr7:92245595	5.56	
MET	chr7:116313480	21.75	

¹ Basado en la versión ClinVar 20180225Fdo. Dra. Smith Peterson, Palm (Bióloga Molecular) /
Dr. García García, Juan (Jefe de Servicio)

Declaración: Los datos aquí presentados proceden de una base de conocimientos seleccionada con información de acceso público, pero puede que no sean exhaustivos. La versión de datos es 2023.02(005).El contenido de este informe no ha sido evaluado ni aprobado por la FDA ni por otras autoridades de registro sanitario.

Datos paciente: NHC: 00025

Nº biopsia: 23C00025-A1

Fecha: 24-mar-2023

2 de 3

Resumen del tratamiento correspondiente

☒ En este tipo de cáncer ☐ En otro tipo de cáncer ☒ En este tipo de cáncer y en otros tipos de cáncer ☒ Sin pruebas (sin indicios)

MET amplification

Tratamiento correspondiente	FDA	NCCN	EMA	ESMO	Ensayos clínicos*
crizotinib	×	●	×	×	● (I)
capmatinib	×	●	×	×	×
tepotinib	×	●	×	×	×
bozitinib	×	×	×	×	● (I/II)
elzovantinib	×	×	×	×	● (I/II)

* Se muestra la fase más avanzada (IV, III, II/III, II, I/II, I) y puede haber varios ensayos clínicos disponibles.

Resumen de los ensayos clínicos

MET amplification

ID NCT	Título	Fase
NCT03175224	Phase I/II Multicenter Study of the Safety, Pharmacokinetics, and Preliminary Efficacy of APL-101 in Subjects With Non-Small Cell Lung Cancer With c-Met EXON 14 Skip Mutations and c-Met Dysregulation Advanced Solid Tumors.	I/II
NCT03993873	Study of the Safety, Tolerability, Pharmacokinetics, and Efficacy of TPX-0022 in Adult Subjects With Locally Advanced or Metastatic NSCLC, Gastric Cancer, or Solid Tumors Harboring Genetic Alterations in MET	I/II
Sin ID NCT	A Phase IB study of Crizotinib Either in Combination or as Single Agent in Pediatric Patients with ALK, ROS1 or MET Positive Malignancies	I

Genes analizados

Genes Assayed for the Detection of DNA Sequence Variants

AKT1, ALK, AR, BRAF, CDK4, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ESR1, FGFR2, FGFR3, GNA11, GNAQ, HRAS, IDH1, IDH2, JAK1, JAK2, JAK3, KIT, KRAS, MAP2K1, MAP2K2, MET, MTOR, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RAF1, RET, ROS1, SMO

Genes Assayed for the Detection of Copy Number Variations

ALK, AR, BRAF, CCND1, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, KIT, KRAS, MET, MYC, MYCN, PDGFRA, PIK3CA

Fdo. Dra. Smith Peterson, Palm (Bióloga Molecular) /
Dr. García García, Juan (Jefe de Servicio)

Declaración: Los datos aquí presentados proceden de una base de conocimientos seleccionada con información de acceso público, pero puede que no sean exhaustivos. La versión de datos es 2023.02(005).

Datos paciente: NHC: 00025

Nº biopsia: 23C00025-A1

Fecha: 24-mar-2023

3 de 3

Genes analizados (continuación)

Genes Assayed for the Detection of Fusions

ALK, RET, ROS1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, BRAF, RAF1, ERG, ETV1, ETV4, ETV5, ABL1, AKT3, AXL, EGFR, ERBB2, PDGFRA, PPARG

El software Ion Torrent OncoPrint Reporter de Thermo Fisher Scientific se utilizó en la generación de este informe. El software fue desarrollado y diseñado internamente por Thermo Fisher Scientific. El análisis se basó en OncoPrint Reporter (5.6.0 versión de datos 2023.02(005)). Los datos aquí presentados proceden de una base de conocimientos seleccionada con información de acceso público, pero puede que no sean exhaustivos. La información de FDA se obtuvo en www.fda.gov con fecha de 2023-01-18. La información de NCCN se obtuvo en www.nccn.org con fecha de 2023-01-03. La información de EMA se obtuvo en www.ema.europa.eu/ema con fecha de 2023-01-18. La información de ESMO se obtuvo en www.esmo.org con fecha de 2023-01-03. La información de los ensayos clínicos tiene fecha de 2023-01-03. Para obtener información más actualizada sobre un ensayo específico, busque en www.clinicaltrials.gov por ID NCT o busque en el sitio web de referencia de ensayos clínicos según identificador local en "Otros identificadores". Las variantes se indican de acuerdo con la nomenclatura HGVS y se clasifican según las directrices AMP/ASCO/CA (Li et al. 2017). Basándose en las fuentes de datos seleccionadas, las variantes, las terapias y los ensayos que se mencionan en este informe se enumeran en orden de posible relevancia clínica pero no en orden de eficacia prevista de las terapias.

Fdo. Dra. Smith Peterson, Palm (Bióloga Molecular) /
Dr. García García, Juan (Jefe de Servicio)

Declaración: Los datos aquí presentados proceden de una base de conocimientos seleccionada con información de acceso público, pero puede que no sean exhaustivos. La versión de datos es 2023.02(005).