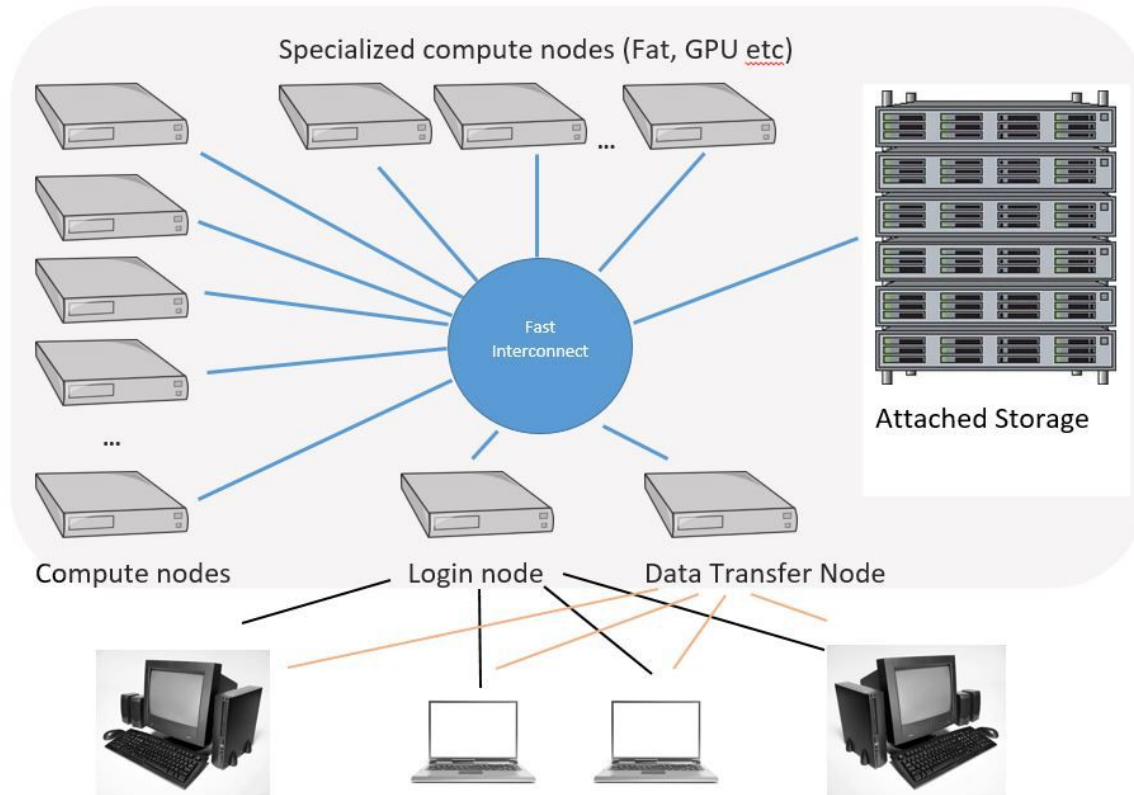


Inducción cluster HPC

Felipe Gómez

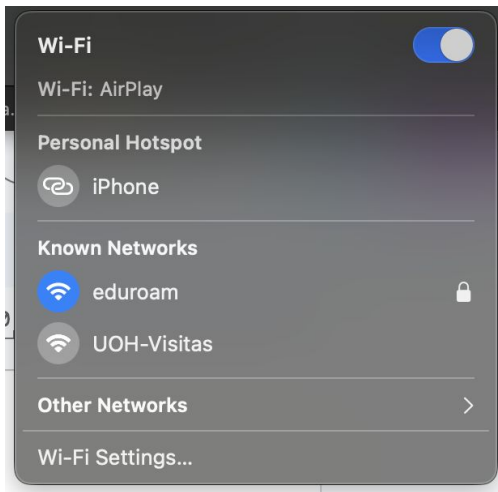
16/04

¿Qué es un cluster HPC?



¿Cómo me conecto?

1)



0

VPN Name VPN-UOH
IP Address 10.212.134.111
Username felipe.gomez@uoh.cl
Duration 00:00:12
Bytes Received 93.69 KB
Bytes Sent 57.53 KB

Disconnect

2)

```
➤ ~ ssh fgomez@172.16.105.194
Last login: Wed Apr 16 10:06:39 2025 from 172.16.97.238
[fgomez@toki-hm-4 ~]$
```

¿Cómo configurar FortiClient?



VPN Name

VPN-UOH

Username

felipe.gomez@uoh.cl

Password

.....

Connect

VPN

Edit VPN Connection

SSL-VPN

IPsec VPN

XML

Connection Name

VPN-UOH

Description

Remote Gateway

vpn.uoh.cl

+Add Remote Gateway

☒ Customize port 10443

☐ Enable Single Sign On (SSO) for VPN Tunnel

☐ Prompt on login ☒ Save login

Authentication

Username

felipe.gomez@uoh.cl

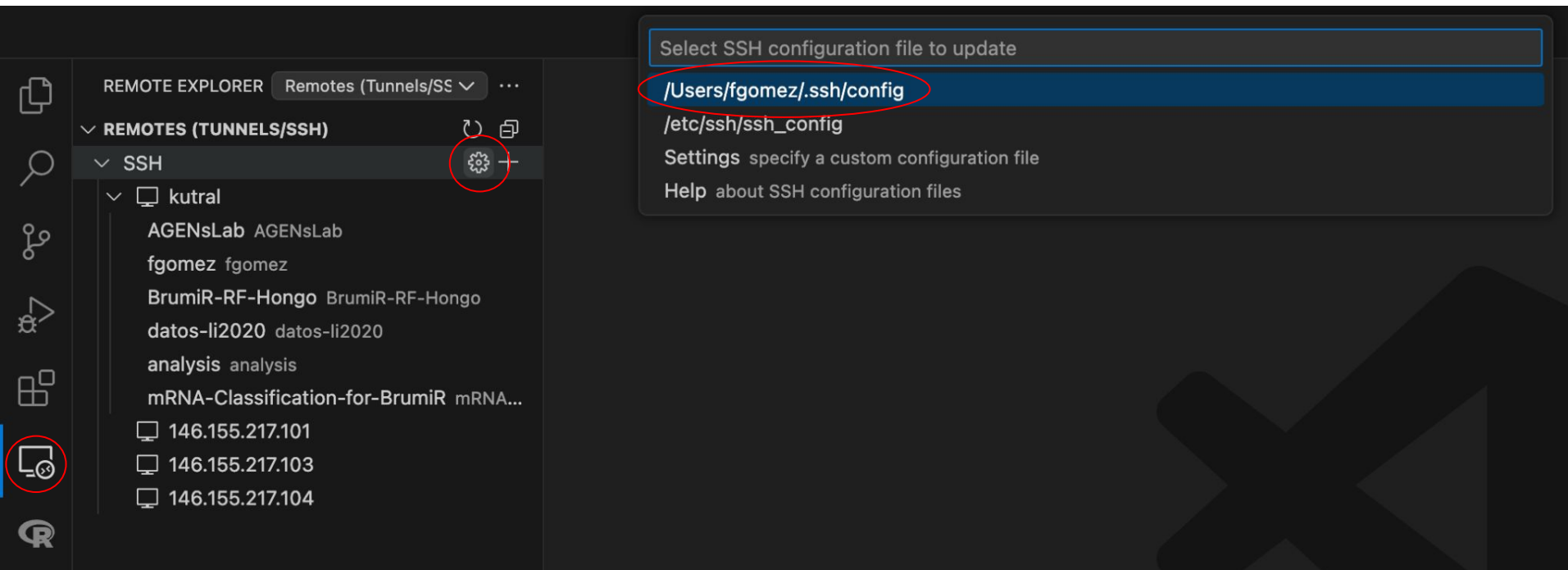
Client Certificate

None

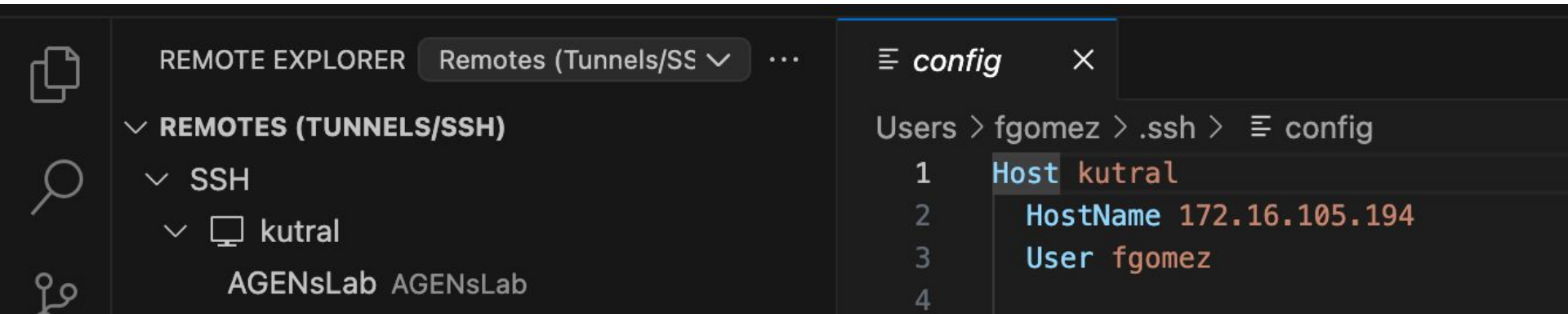
Cancel

Save

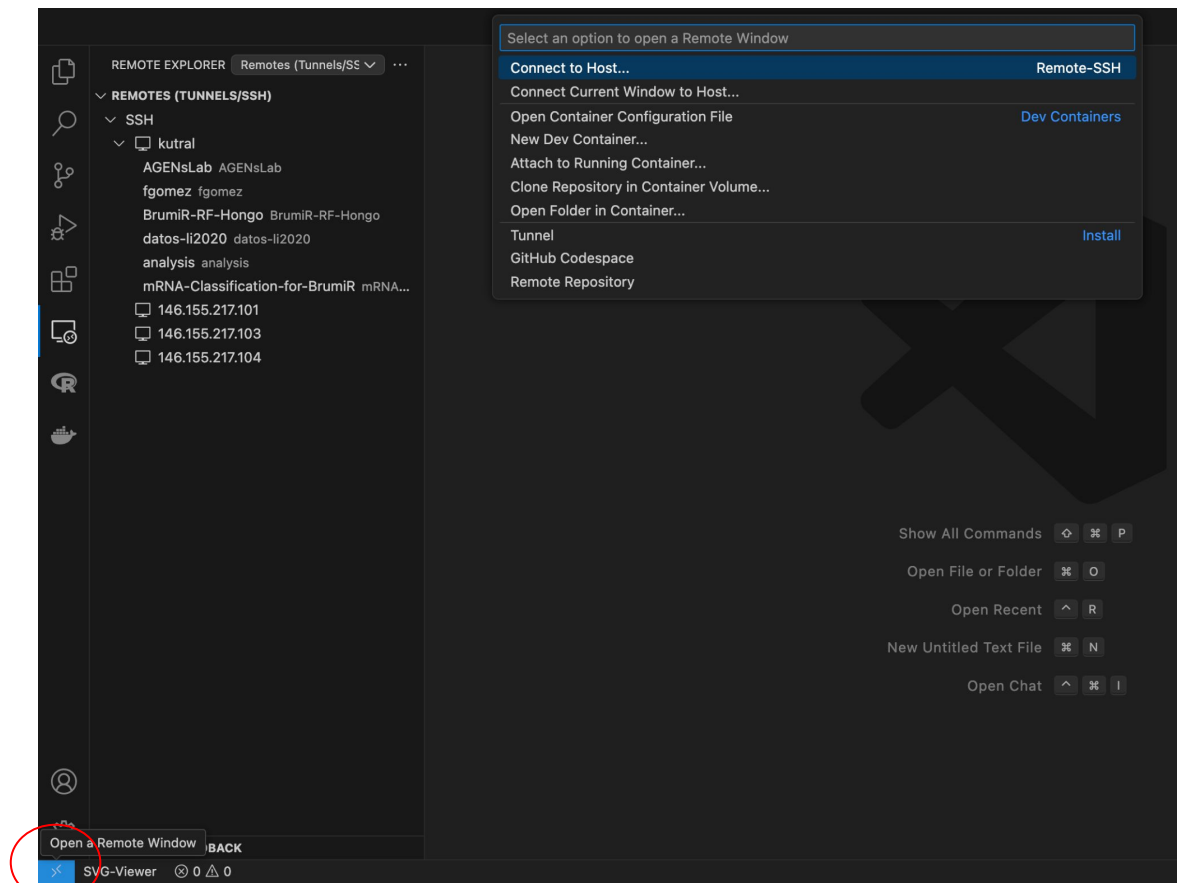
¿Cómo configurar la conexión en vscode?



¿Cómo configurar la conexión en vscode?



¿Cómo configurar la conexión en vscode?



¿Cómo configurar la conexión en vscode?

Select configured SSH host or enter user@host

kutral

146.155.217.101

146.155.217.103

146.155.217.104

+ Add New SSH Host...

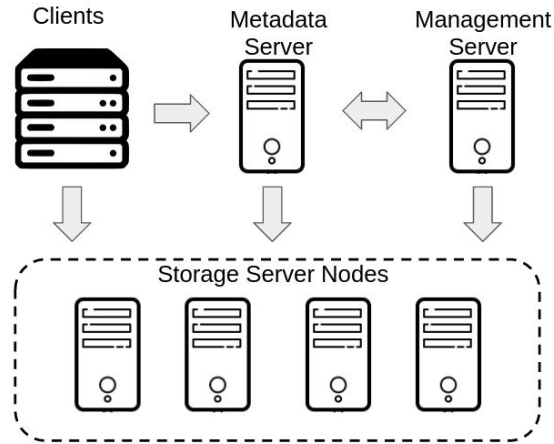
Configure SSH Hosts...



Almacenamiento

Cliente-servidor

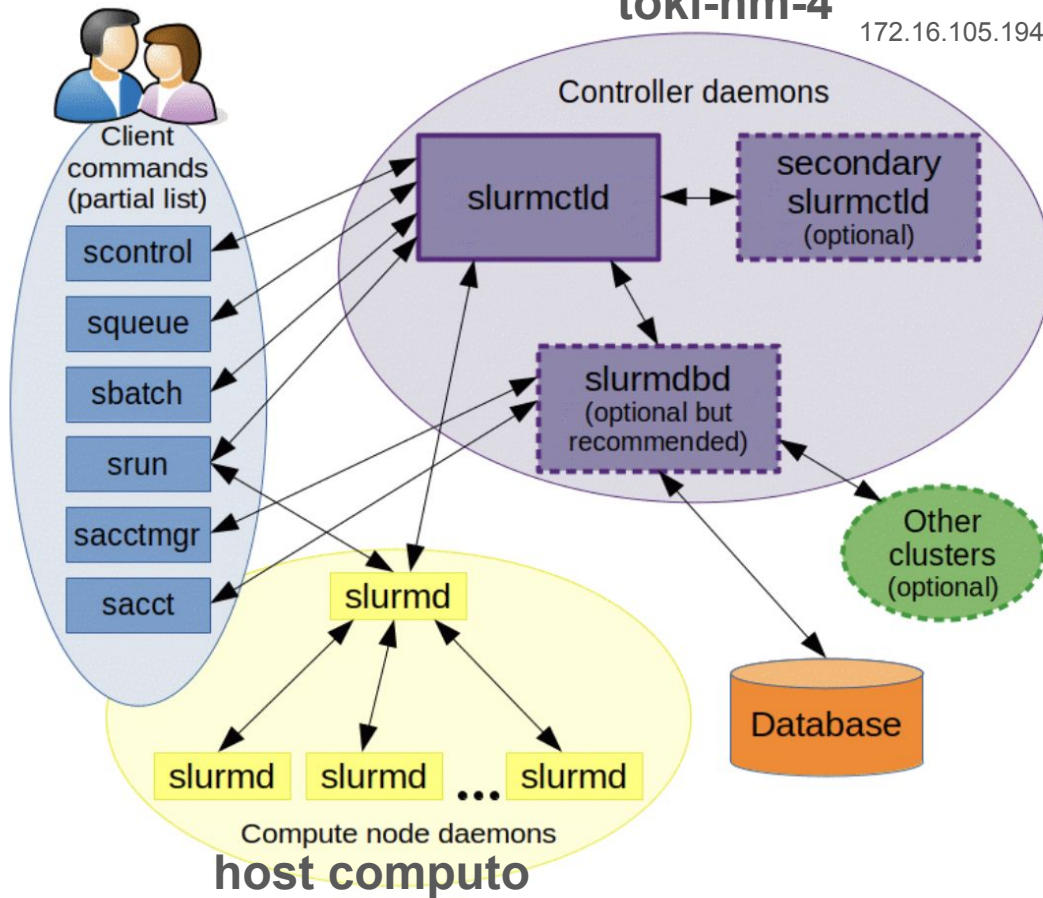
Beegfs



Slurm (Simple Linux Utility for Resource Management)

toki-hm-4

172.16.105.194



Lanzando cálculos

```
#!/bin/bash
#SBATCH --job-name=example
#SBATCH --cpus-per-task=1
#SBATCH --mem=1G
#SBATCH --error=example.err
#SBATCH --output=example.out
#SBATCH --odelist=tokikura,host[10-11]
#SBATCH --gres=gpu:1
```

Encabezado

```
micromamba activate nuevo
bash script.sh
```

Código a ejecutar

sbatch test.sh

O

srun --cpus-per-tasks=1 --mem=1GB --error=example.err --output=example.out script.sh

Instalar software con micromamba

```
1) $ mkdir -p $HOME/micromamba/bin  
$ cd $HOME/micromamba/bin  
  
$ curl -L https://micro.mamba.pm/api/micromamba/linux-64/latest  
-o micromamba.tar.bz2  
$ tar -xvjf micromamba.tar.bz2 bin/micromamba  
  
$ echo 'export PATH="$HOME/micromamba/bin:$PATH"' >>  
~/.bashrc  
$ source ~/.bashrc
```

Instalar software con micromamba

1)

#Crear un ambiente

```
$ micromamba create -n bioinfo_tools samtools fastqc -c bioconda  
-c conda-forge
```

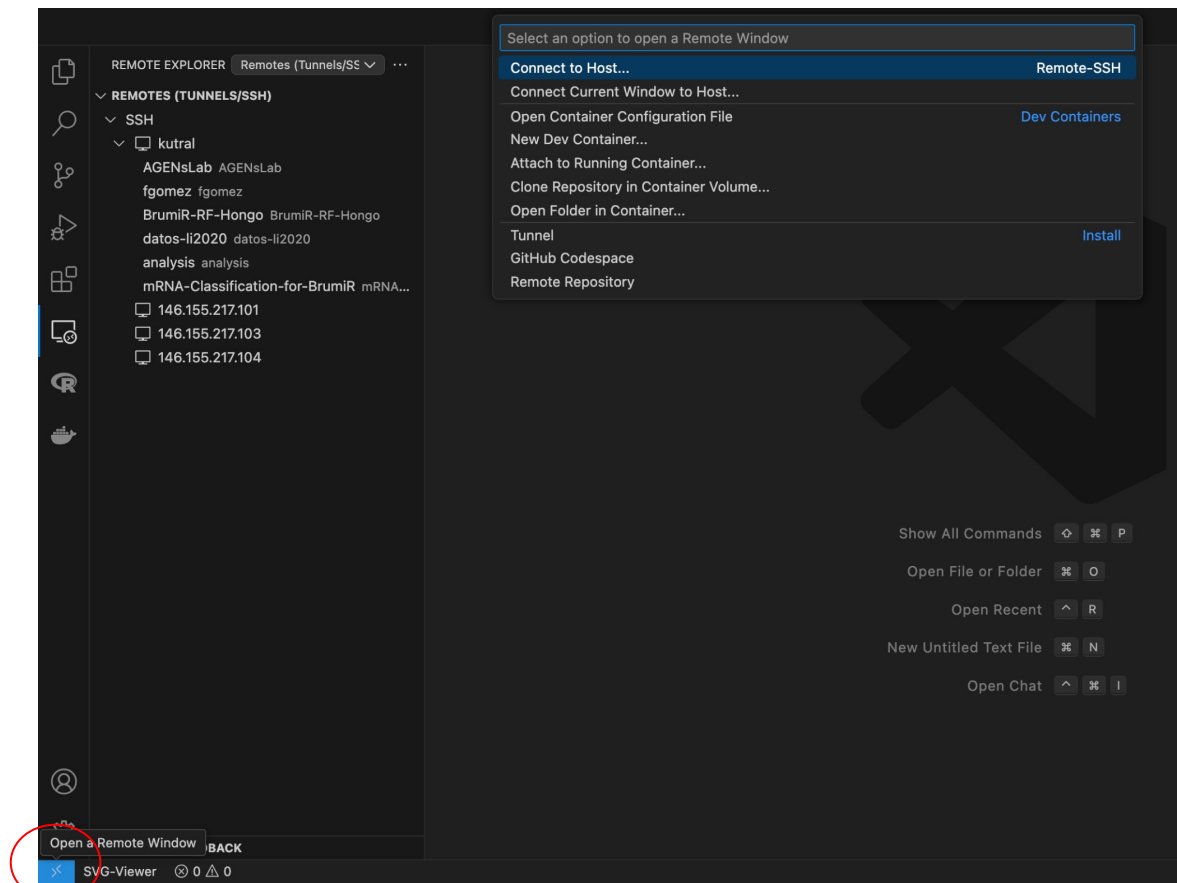
#Activar un ambiente

```
$ micromamba activate bioinfo_tools
```

#Instalar más paquetes en su ambiente (hay que activar el ambiente)

```
$ micromamba install biopython
```

¿Cómo configurar la conexión en vscode?



Cualquier requerimiento adicional

SUPPORT CENTER

Support Ticket System

Guest User | [Sign In](#)



Support Center Home



Open a New Ticket



Check Ticket Status

Welcome to the Support Center

In order to streamline support requests and better serve you, we utilize a support ticket system. Every support request is assigned a unique ticket number which you can use to track the progress and responses online. For your reference we provide complete archives and history of all your support requests. A valid email address is required to submit a ticket.

[Open a New Ticket](#)

[Check Ticket Status](#)

<https://tickets-hpc.uoh.cl/>

Documentación variada



[Página principal](#)
[Cambios recientes](#)
[Página aleatoria](#)
[Ayuda sobre MediaWiki](#)

Herramientas

[Lo que enlaza aquí](#)
[Cambios relacionados](#)
[Páginas especiales](#)
[Versión para imprimir](#)
[Enlace permanente](#)
[Información de la página](#)

No has accedido [Discusión](#) [Contribuciones](#) [Crear una cuenta](#) [Acceder](#)

[Portada](#) [Discusión](#)

[Leer](#)

[Editar](#)

[Ver historial](#)



Página principal

Bienvenido al Wiki de Kütral [\[editar\]](#)

Este wiki proporciona documentación sobre el uso y administración del clúster **Kutral**. A continuación, encontrarás las principales categorías organizadas por temas.

Temáticas Principales [\[editar\]](#)

Descripción y acceso

[Descripción general del sistema](#)

[Solicitud de cuentas](#)

[Acceso a Kutral](#)

[Infraestructura](#)

Servicios y Herramientas

[Open OnDemand](#)

[Nextcloud](#)

[Monitoreo del Clúster](#)

Uso del Clúster

[Instalación de Software](#)

[Ejecución de Trabajos](#)

[Reporte de Problemas](#)

Proyectos

[Machine Learning en histopatología
\[DiGenomaLab\]](#)

[BrumiR \[AGENS-Lab\]](#)

Esta página se editó por última vez el 27 mar 2025 a las 22:48.

[Política de privacidad](#) [Acerca de Wiki](#) [Descargos](#)



<https://kutral-hpc.uoh.cl/mediawiki/>

Otros servicios

Acceso a los Servicios HPC Kutral



MediaWiki

[MediaWiki](#)



[Nextcloud](#)



[Open OnDemand](#)



[Ticket Kutral](#)



[Ganglia](#)

<https://kutral-hpc.uoh.cl>

Inducción cluster HPC

Felipe Gómez

16/04