Máquinas de Vetores de Suporte: Da

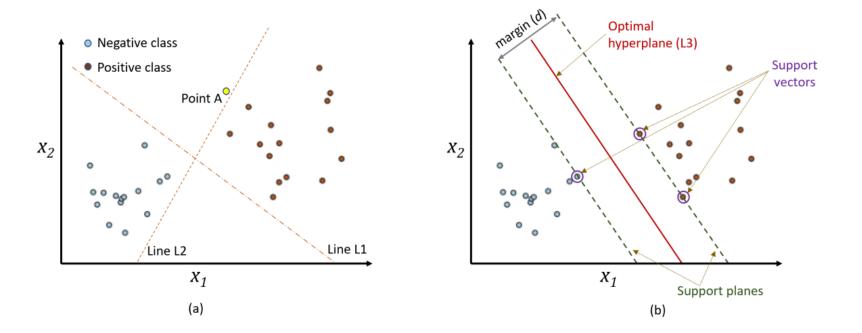
Classificação à Regressão

## Introdução às Máquinas de Vetores de Suporte

- Técnica de aprendizado supervisionado para classificação e regressão
- Originalmente desenvolvida para problemas de classificação binária
- Visa encontrar limites de separação ótimos entre classes
- Conhecida por excelentes capacidades de generalização
- Garante soluções únicas de ótimo global

## SVM Clássico: Princípios Básicos

- Encontra limite linear para separar duas classes distintas
- Maximiza a margem entre planos de suporte
- Vetores de suporte: Pontos situados nos planos de suporte
- Margens grandes garantem previsões robustas
- Apenas vetores de suporte determinam o limite ótimo



## Fundamento Matemático do SVM

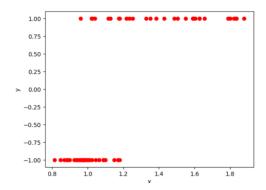
- Para N amostras de treinamento (x, y) onde:
  - x: Vetor de entrada no espaço m-dimensional
  - y: Rótulo de classe (±1)
- Hiperplano de separação ótimo:  $\mathbf{w}^T \mathbf{x} + b = 0$
- Planos de suporte:

$$\mathbf{w}^T \mathbf{x}_i + b \ge 1$$
 for positive samples  $(y_i = 1)$   
 $\mathbf{w}^T \mathbf{x}_i + b \le -1$  for negative samples  $(y_i = -1)$ 

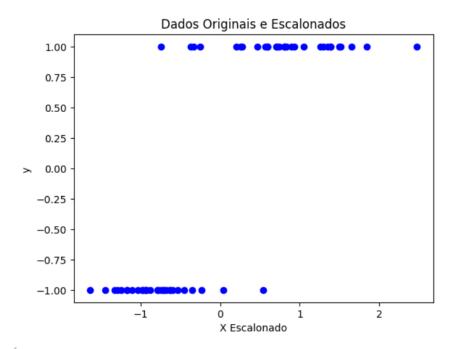
$$\min_{\mathbf{w},b} \quad \frac{1}{2} ||\mathbf{w}||^2$$
 eq. 1 s.t.  $y_i(\mathbf{w}^T \mathbf{x}_i + b) \ge 1$ ,  $i = 1, \dots N$ 

## Ilustração de classificação linear simples

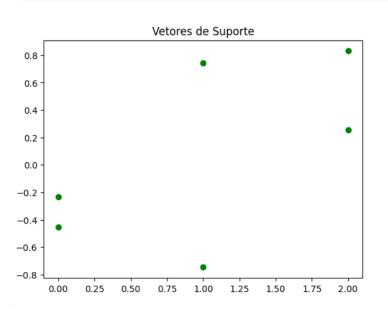
```
# Ler os dados de um arquivo CSV
import numpy as np
# Carrega os dados numéricos do arquivo, usando vírgula como separador
data = np.loadtxt('toyDataset.csv', delimiter=',')
# Separa as features (X) e a variável alvo (y):
# - X recebe as duas primeiras colunas (características)
# - y recebe a terceira coluna (rótulo/target)
X = data[:, [0, 1]]; y = data[:, 2]
```



# Escalonamento das features para normalização
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
scaler = StandardScaler() # Cria um objeto para padronização (média=0, variância=1)
X\_scaled = scaler.fit\_transform(X) # Aplica o escalonamento aos dados de entrada



```
# Treinamento do modelo SVM (Máquina de Vetores de Suporte)
from sklearn.svm import SVC
# Configura o modelo:
# - kernel linear: para separação linear de classes
# - C=100: hiperparâmetro de regularização (C alto = menos regularização)
model = SVC(kernel='linear', C=100)
model.fit(X_scaled, y) # Treina o modelo com dados escalonados
```



Coeficientes do modelo: [[1.9276981 0.59658647]] Intercepto do modelo: [0.01725418] Número de vetores de suporte por classe: [1 2] Número total de vetores de suporte: 3

## Classificação de Margem Rígida vs. Margem Suave

- Margem rígida: Todos os pontos devem ser corretamente classificados
- Margem suave: Permite algumas classificações incorretas
- Introduz variáveis de folga (ξ)
- Controla o equilíbrio entre precisão e tamanho da margem
- Hiperparâmetro C regula a penalidade para violações

Classificação "Hard Margin" (Margem Dura):

Imagine que você quer separar dois grupos de pontos com uma linha reta perfeita, sem nenhum erro. Isso só funciona se os dados forem perfeitamente separáveis (como no "toyDataset"). O SVM com margem dura exige que todos os pontos estejam do lado correto da linha, sem exceções.

Problema: Na vida real, os dados têm "sujeira" (pontos fora do lugar, ruídos, sobreposição).

A margem dura falha porque não permite flexibilidade.

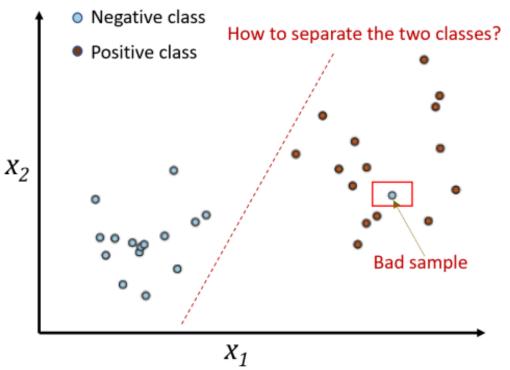


Figura 7.2: A presença da amostra ruim mostrada torna a separação linear perfeita inviável

## Entendendo a Margem Flexível (Soft Margin) no SVM:

No SVM de margem flexível, permitimos que **alguns pontos sejam classificados erradamente** ou fiquem dentro da margem. Isso é feito usando variáveis de "folga" (ξ), que medem o "quanto" cada ponto errou.

$$m{w}^T m{x}_i + b \geq 1 - \xi_i \quad \text{for } y_i = 1$$
  $m{w}^T m{x}_i + b \leq -1 + \xi_i \quad \text{for } y_i = -1$  Variaveis de folga

$$\min_{\substack{\pmb{w},b,\xi\\ \pmb{s}.t.}} \quad \frac{1}{2} \big| \big| \pmb{w} \big| \big|^2 \, + \, C \, \sum_{i=1}^N \xi_i \qquad \qquad \text{eq. 2}$$
 s.t. 
$$y_i(\pmb{w}^T \pmb{x}_i \, + \, b) \, \geq \, 1 - \xi_i, \quad i = 1, \cdots N$$
 
$$\xi_i \, \geq \, 0$$

#### Como funciona?

## 1. Objetivo do Modelo:

- Minimizar dois termos:
  - (1/2) | |w| | <sup>2</sup> : Queremos uma linha de decisão "suave" (margem larga).
  - C \* Σξi: Penalizamos os erros (ξi).
- C é um hiperparâmetro que controla o peso dos erros:
  - C alto (ex: C=100): Foca em reduzir erros (pouca tolerância).
  - C baixo (ex: C=0.1): Prioriza margem larga (mais tolerância a erros).

## 2. Restrições:

Cada ponto deve obedecer:

$$yi(wTxi + b) \ge 1 - \xi i$$

ξi ≥ 0: A folga nunca é negativa (só mede o "erro para dentro").

## C como hiperparâmetro de regularização

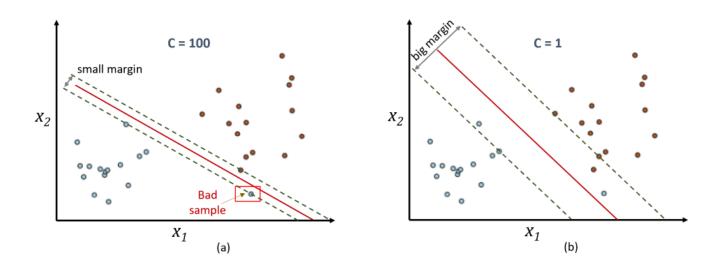


Figura 7.3: (a) Limite não regularizado superajustado (b) Ajuste regularizado

## O Truque do Kernel

- Permite classificação não linear
- Mapeia dados para espaço de dimensão superior
- Separação linear no espaço transformado
- Sem computação explícita da transformação
- Usa funções kernel para mapeamento implícito

Embora a formulação de classificação de margem suave seja bastante flexível, ela não funcionará para problemas de classificação não linear onde limites curvos são garantidos.

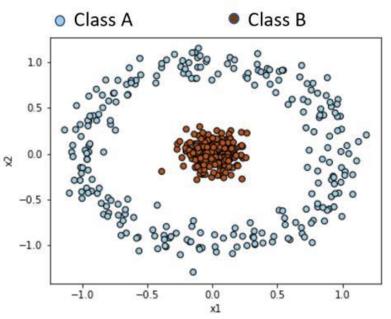


Figura 7.4: Amostras distribuídas não linearmente

## Treinando SVM com Espaços de Características Complexos:

O SVM pode encontrar uma "linha de decisão" mais eficaz se os dados forem transformados para um **espaço de características mais complexo** (como um espaço 3D ou até com mais dimensões). Nesse novo espaço, dados que não eram separáveis por uma linha reta (em 2D) podem se tornar separáveis.

## **Exemplo Prático:**

Imagine dados em formato de círculo (não separáveis por uma reta). Se transformarmos esses dados para um espaço 3D (por exemplo, usando uma função que cria uma "elevação" no centro do círculo), uma superfície plana (hiperplano) pode separá-los.

Para contornar esse problema é mapear as variáveis/características de entrada originais em um espaço dimensional mais alto

$$\varphi(x) = \varphi(x_1, x_2) = [z_1, z_2, z_3] = [x_1, x_2, x_1^2 + x_2^2]$$
• Class A • Class B
• Class A
• Class B
• Class

Figure 7.5: Nonlinear mapping to higher dimensional enabling linear segregation

### A Solução Mágica: O "Kernel Trick"

O truque é: você não precisa calcular explicitamente a transformação  $\varphi$ ! Em vez disso, usamos uma **função kernel** que calcula a "similaridade" entre pontos no espaço transformado, sem precisar passar por ele.

#### **Como Funciona?**

- Kernel é um atalho matemático que evita cálculos complexos.
- Exemplo: O kernel polinomial calcula interações entre features sem elevar manualmente os dados a uma potência.

$$\min_{\substack{\pmb{w},b,\xi\\ \pmb{s}.t.}} \quad \frac{1}{2} \left| |\pmb{w}| \right|^2 \, + \, C \, \sum_{i=1}^N \xi_i \qquad \qquad \text{eq. 2}$$
 s.t. 
$$y_i(\pmb{w}^T \pmb{x}_i \, + \, b) \, \geq \, 1 - \xi_i, \quad i = 1, \cdots N$$
 
$$\xi_i \, \geq \, 0$$

### O Segredo Matemático do SVM (Versão Simplificada):

O SVM resolve o problema de otimização de uma forma alternativa (chamada **forma dual**), que evita trabalhar diretamente com os parâmetros \*w\* e \*b\*. Em vez disso, usa **α's** (multiplicadores de Lagrange), que representam a "importância" de cada ponto no treinamento.

$$\begin{aligned} & \min_{\alpha} & \quad \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j y_i y_i x_i^T x_j \ - \sum_{i=1}^{N} \alpha_i \end{aligned} \quad \text{eq. 3} \\ & \text{s.t.} \quad \sum_{i=1}^{N} y_i \alpha_i = 0 \\ & \quad 0 \leq \alpha_i \leq C \quad i = 1, \cdots N \end{aligned}$$
 
$$\mathbf{w} = \sum_{i=1}^{N} \alpha_i y_i x_i, \quad \mathbf{b} = \frac{1}{N_s} \sum_{i \in \{SV\}} 1 - y_i \mathbf{w}^T x_i$$

$$\min_{\alpha} \quad \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j y_i y_i x_i^T x_j - \sum_{i=1}^{N} \alpha_i \quad \text{eq. 3}$$
s.t. 
$$\sum_{i=1}^{N} y_i \alpha_i = 0$$

$$0 \le \alpha_i \le C \quad i = 1, \dots N \quad w = \sum_{i=1}^{N} \alpha_i y_i x_i, \quad b = \frac{1}{N_s} \sum_{i \in \{SV\}} 1 - y_i w^T x_i$$

#### Como funciona?

### 1. Forma Dual (Equação 3):

- O objetivo é encontrar os α's que:
  - Minimizem a combinação entre a "complexidade do modelo" (ΣΣ αίαj...) e a soma dos α's (Σαί).
  - Respeitem duas regras:
    - A soma dos α's multiplicados pelas suas classes (Σ yiαi) deve ser zero.
    - Cada α deve estar entre 0 e C (o hiperparâmetro de regularização).

$$\begin{aligned} & \min_{\pmb{\alpha}} & & \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j y_i y_i^T \pmb{x}_i^T \pmb{x}_j \ - & \sum_{i=1}^{N} \alpha_i \end{aligned} \quad \text{eq. 3} \\ & \text{s.t.} & & \sum_{i=1}^{N} y_i \alpha_i \ = \ 0 \\ & & 0 \le \alpha_i \le C \quad i = 1, \cdots N \end{aligned} \quad \quad \pmb{w} = \sum_{i=1}^{N} \alpha_i y_i \pmb{x}_i, \quad \pmb{b} = \frac{1}{N_s} \sum_{i \in \{SV\}} 1 - y_i \pmb{w}^T \pmb{x}_i \end{aligned}$$

#### 2. Resultado:

- Os α's não nulos correspondem aos vetores de suporte (pontos críticos que definem a fronteira de decisão).
- α = 0: O ponto não influencia a fronteira.
- 0 < α < C: O ponto está exatamente na margem.</li>
- α = C: O ponto é um erro (está dentro da margem ou classificado errado).

$$\begin{aligned} & \min_{\alpha} & & \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j y_i y_i x_i^T x_j \ - & \sum_{i=1}^{N} \alpha_i \end{aligned} \quad \text{eq. 3} \\ & \text{s.t.} & & \sum_{i=1}^{N} y_i \alpha_i \ = \ 0 \\ & & 0 \le \alpha_i \le C \quad i = 1, \cdots N \end{aligned} \quad \mathbf{w} = \sum_{i=1}^{N} \alpha_i y_i x_i, \quad \mathbf{b} = \frac{1}{N_s} \sum_{i \in SV} 1 - y_i \mathbf{w}^T x_i \end{aligned}$$

#### 3. Classificação de novos dados:

A previsão é feita com uma fórmula que depende dos  $\alpha$ 's, das classes ( yi ), e da similaridade entre o ponto de teste ( xt ) e os vetores de suporte ( xi ):

$$\widehat{y}_t = sign(\sum_{i=1}^N \alpha_i y_i \mathbf{x}_i^T \mathbf{x}_t + b)$$

### Por que complicar a matemática do SVM?

Parece mais difícil usar a **forma dual** (com α's) em vez da forma original (com \*w\* e \*b\*), mas há uma razão poderosa: **os kernels**.

Isso permite que o SVM resolva problemas **não lineares** (como dados em formato de espiral) sem precisar calcular transformações complexas manualmente!

## O Truque do Kernel Explicado:

#### 1. Problema Não Linear:

- Dados não separáveis por uma reta (em 2D) podem ser separados em um **espaço de alta dimensão** (3D, 4D, etc.) usando uma função  $\varphi(x)$ .
- Exemplo: Transformar dados 2D em 3D para criar um "plano separador".

#### 2. Desafio:

• Calcular  $\varphi(x)$  explicitamente é lento e inviável para dados grandes ou muitas dimensões.

#### 3. Solução Genial (Kernel Trick):

- Kernel é uma função que calcula a similaridade entre dois pontos no espaço transformado sem precisar conhecer  $\varphi(x)$ !
- Exemplo de kernel:
  - $K(x_1, x_2) = (x_1 \cdot x_2 + 1)^2$  (kernel polinomial).
  - Equivale a calcular o produto escalar em um espaço 6D, mas sem fazer as contas manualmente!

#### Como Funciona na Prática?

## 1. Treinamento (Equação 8):

- O SVM otimiza os  $\alpha$ 's usando apenas  $K(x_i, x_j)$  (não precisa de  $\varphi(x)$ ).
- C controla a tolerância a erros (como antes).

$$\min_{\alpha} \quad \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j y_i y_i \varphi(x_i)^T \varphi(x_j) - \sum_{i=1}^{N} \alpha_i$$
s.t. 
$$\sum_{i=1}^{N} y_i \alpha_i = 0$$

$$0 \le \alpha_i \le C \quad i = 1, \dots N$$

$$\begin{aligned} & \min_{\pmb{\alpha}} & & \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j y_i y_i K \Big( \mathbf{x}_i, \mathbf{x}_j \Big) \; - \; \sum_{i=1}^{N} \alpha_i \\ & \text{s.t.} & & \sum_{i=1}^{N} y_i \alpha_i \; = \; 0 \\ & & 0 \; \leq \; \alpha_i \leq C \quad i = 1, \cdots N \end{aligned}$$

#### 2. Previsão (Equação 9):

• A classe de um novo ponto  $x_t$  depende da similaridade com os vetores de suporte:

$$\widehat{y}_t = sign(\sum_{i \in \{SV\}} \alpha_i y_i K(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_t) + b)$$

•  $K(x_i, x_i)$  substitui o produto escalar no espaço transformado.

## Por Que Isso é Revolucionário?

- Eficiência: Evita cálculos caros em alta dimensão.
- Flexibilidade: Escolha o kernel que melhor se adapta aos dados
  - Linear: Para dados separáveis por reta.
  - RBF (Gaussiano): Para padrões complexos (ex: círculos).
  - Polinomial: Para relações não lineares com grau definido.

## Funções Kernel Comuns

A tabela abaixo lista algumas funções de kernel comumente usadas. A
primeira é simplesmente o produto escalar familiar de dois vetores, enquanto
a segunda, RBF (função de base radial) ou kernel Gaussiano é o kernel mais
popular (e geralmente a escolha padrão) para problemas não lineares.

Function	Equation	Hyperparameter
Linear	$K(\mathbf{x},\mathbf{z}) = \mathbf{x}^{\mathrm{T}}\mathbf{z}$	
Gaussian	$K(\boldsymbol{x}, \boldsymbol{z}) = exp(-\frac{\ \boldsymbol{x} - \boldsymbol{z}\ ^2}{2\sigma^2})$	σ
Polynomial	$K(\mathbf{x}, \mathbf{z}) = (\gamma \mathbf{x}^T \mathbf{z} + r)^d$	$\gamma,r,d$
Sigmoid	$K(\mathbf{x}, \mathbf{z}) = \tanh(\gamma \mathbf{x}^T \mathbf{z} + r)$	$\gamma, r$

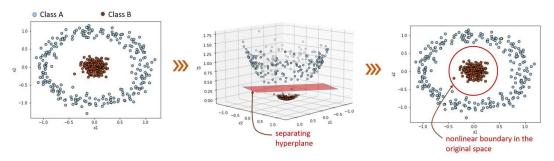
#### Resumo Visual:

- Passo 1: Dados não lineares em 2D → Kernel mapeia para espaço N-D "invisível".
- Passo 2: SVM encontra hiperplano nesse espaço.
- Passo 3: Classificação usa apenas similaridades (kernel), sem cálculos explícitos.

## **Exemplo Prático:**

Imagine separar círculos concêntricos (dados 2D):

- 1. Kernel RBF transforma os dados em um espaço 3D onde um plano os separa.
- 2. O SVM usa  $K(x_i, x_j)$  para calcular distâncias "ajustadas" no espaço original.



## Implementação Sklearn: Kernel gaussiano

```
# generate data
from sklearn.datasets import make_circles

1.9s

X, y = make_circles(500, factor=.08, noise=.1, random_state=1)
# note that y = 0,1 here and need not be ±1; SVM does internal transformation accordingly

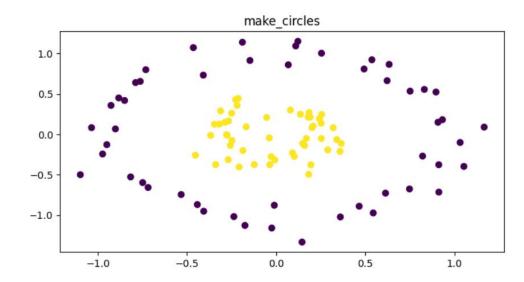
0.0s
```

## Implementação Sklearn: Kernel gaussiano

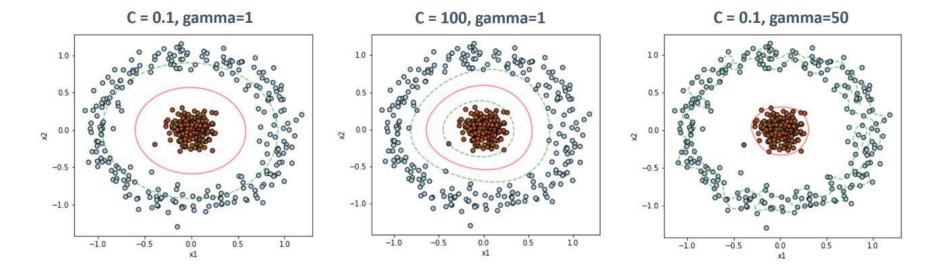
```
import matplotlib.pyplot as plt
fig, (ax1) = plt.subplots(nrows=1, ncols=1, figsize=(8, 4))

X, y = make_circles(noise=0.1, factor=0.3, random_state=0)
ax1.scatter(X[:, 0], X[:, 1], c=Y)
ax1.set_title("make_circles")

0.0s
```



{'C': 0.1, 'gamma': 1}



## Descrição de Dados por Vetores de Suporte (SVDD)

- Variante não supervisionada do SVM
- Classificação de uma classe
- Envolve dados normais dentro de hiperesfera
- Identifica outliers/amostras anormais
- Usa funções kernel para limites não lineares

### SVDD: Detectando Anomalias (Quando Só Temos Dados "Normais")

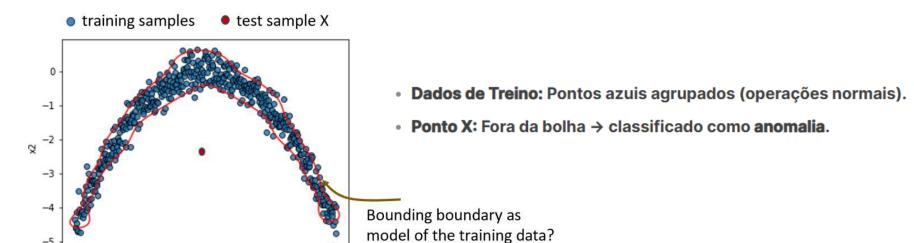
0.5

0.0

1.0

Problema: Imagine que você tem um conjunto de dados apenas de operações normais de uma fábrica (ex: temperatura, pressão). Como identificar se um novo dado é anormal (defeito, falha)?

**Solução:** O **SVDD** (Support Vector Data Description) é um algoritmo que "aprende" o padrão dos dados normais e cria uma **fronteira flexível** ao redor deles. Qualquer ponto fora dessa fronteira é considerado anormal.



## Descrição de Dados por Vetores de Suporte (SVDD)

## **Aplicações Comuns:**

- Monitoramento Industrial: Detectar falhas em equipamentos usando dados só de operação normal.
- Controle de Qualidade: Identificar produtos defeituosos em uma linha de produção.
- Segurança Cibernética: Encontrar atividades suspeitas em redes.

# Descrição de Dados por Vetores de Suporte (SVDD)

#### Por Que Usar SVDD?

- Não Supervisionado: Não precisa de dados rotulados como "anormais" (raros ou inexistentes).
- · Adaptável: A bolha se ajusta à forma complexa dos dados (usando kernels, como no SVM).

## Comparação com SVM:

- SVM: Separa duas classes (ex: spam vs. não spam).
- SVDD: Define uma única classe (normal) e detecta outliers.

#### Analogia:

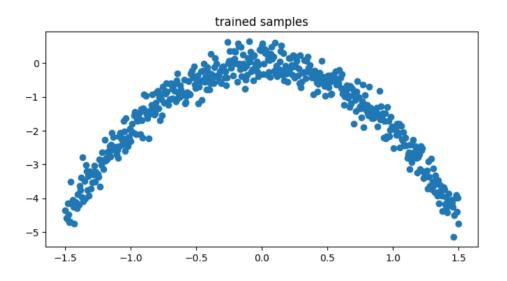
Pense no SVDD como um "cão de guarda" que aprende o cheiro da casa (dados normais) e late sempre que sente um odor estranho (anomalia). 🐩 🔍

#### Resumo:

- SVDD é ideal para quando você só tem dados de um grupo e quer detectar desvios.
- Usado em indústrias, saúde, segurança e qualquer área onde "anormalidades" são críticas.

### A Matemática por Trás do SVDD (Detecção de Anomalias):

O objetivo do SVDD é criar uma **"bolha" (esfera)** em um espaço de alta dimensão que envolva a maioria dos dados normais. Pontos fora dessa bolha são considerados anomalias.



$$\min_{\substack{R,a,\xi\\ R}} R^2 + C \sum_{i=1}^N \xi_i$$
s.t.  $||\varphi(x_i) - a||^2 \le R^2 + \xi_i$ ,  $i = 1, \dots N$ 
 $\xi_i \ge 0$ 

#### Elementos-chave da fórmula:

- 1. R<sup>2</sup>: Raio da bolha (queremos a menor bolha possível).
- 2. a: Centro da bolha.
- 3.  $\xi i$  (variáveis de folga): Medem "quanto" cada ponto invade ou fica fora da bolha.
- 4. C: Hiperparâmetro que controla a tolerância a pontos fora da bolha.

$$\min_{\substack{R,a,\xi\\ R}} R^2 + C \sum_{i=1}^N \xi_i$$
s.t.  $||\varphi(x_i) - a||^2 \le R^2 + \xi_i$ ,  $i = 1, \dots N$ 
 $\xi_i \ge 0$ 

#### Elementos-chave da fórmula:

- 1. R<sup>2</sup>: Raio da bolha (queremos a menor bolha possível).
- 2. a: Centro da bolha.
- 3.  $\xi i$  (variáveis de folga): Medem "quanto" cada ponto invade ou fica fora da bolha.
- 4. C: Hiperparâmetro que controla a tolerância a pontos fora da bolha.

$$\min_{\substack{R,a,\xi\\ \text{s.t.}}} R^2 + C \sum_{i=1}^N \xi_i$$
s.t.  $||\varphi(x_i) - a||^2 \le R^2 + \xi_i$ ,  $i = 1, \dots N$ 
 $\xi_i \ge 0$ 

### Como Funciona a Otimização?

- · Objetivo: Minimizar duas coisas ao mesmo tempo:
  - O tamanho da bolha (R²).
  - A soma das "folgas" ( $\xi i$ ), multiplicada por C.

#### Restrições:

- Cada ponto de dado  $\varphi(xi)$  (transformado para alta dimensão) deve estar **dentro ou perto** da bolha:
  - Se  $\xi i$  = 0 → 0 ponto está dentro da bolha.
  - Se ξi > 0 → O ponto está fora da bolha (contribui para o erro).

$$\min_{R,a,\xi} R^2 + C \sum_{i=1}^N \xi_i$$
s.t.  $||\varphi(x_i) - a||^2 \le R^2 + \xi_i$ ,  $i = 1, \dots N$ 

$$\xi_i \ge 0$$

$$\min_{\alpha} \sum_{i=1}^N \sum_{j=1}^N \alpha_i \alpha_j K(x_i, x_j) - \sum_{i=1}^N \alpha_i K(x_i, x_i)$$
s.t.  $\sum_{i=1}^N \alpha_i = 1$ 
 $0 \le \alpha_i \le C$   $i = 1, \dots N$ 

$$\min_{\alpha} \quad \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j K(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_j) - \sum_{i=1}^{N} \alpha_i K(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_i)$$
s.t. 
$$\sum_{i=1}^{N} \alpha_i = 1$$

$$0 \le \alpha_i \le C \quad i = 1, \dots N$$

#### Partes da Fórmula:

#### 1. Termo de Minimização:

 $\circ$  ΣΣ α<sub>i</sub>α<sub>i</sub> K(x<sub>i</sub>, x<sub>i</sub>):

Mede a "similaridade combinada" entre todos os pares de pontos, ponderada pelos  $\alpha$ 's.

- Exemplo: Se dois pontos são muito similares (K alto) e ambos têm α alto, contribuem muito para o custo.
- $\circ$   $\Sigma \alpha_i K(x_i, x_i)$ :

Subtrai a similaridade de cada ponto consigo mesmo. Isso ajuda a ajustar o tamanho da "bolha" que envolve os dados.

$$\min_{\alpha} \quad \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j K(x_i, x_j) - \sum_{i=1}^{N} \alpha_i K(x_i, x_i)$$
s.t. 
$$\sum_{i=1}^{N} \alpha_i = 1$$

$$0 \le \alpha_i \le C \quad i = 1, \dots N$$

#### 2. Restrições:

- $\circ$  Σ α<sub>i</sub> = 1: A soma de todos os α's deve ser 1 (como uma receita onde os ingredientes somam 100%).
- 0 ≤ α<sub>i</sub> ≤ C: Cada α deve estar entre 0 e C (um hiperparâmetro que controla a flexibilidade).

$$\min_{\alpha} \quad \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j K(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_j) - \sum_{i=1}^{N} \alpha_i K(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_i)$$
s.t. 
$$\sum_{i=1}^{N} \alpha_i = 1$$

$$0 \le \alpha_i \le C \quad i = 1, \dots N$$

### Papel do Kernel (K):

- $K(x_i, x_j)$  é uma função que mede a similaridade entre os pontos  $x_i$  e  $x_j$  em um espaço transformado (sem precisar calcular a transformação!).
- Exemplo de Kernel:
  - K(x, y) = (x·y + 1)² → Captura relações não lineares como círculos ou elipses.

### **Hiperparâmetro C:**

- · C alto (ex: 100): Prioriza incluir mais pontos na bolha (menos outliers, bolha menor).
- C baixo (ex: 0.1): Permite mais pontos fora (bolha maior, mais flexível).

$$\min_{\alpha} \quad \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j K(x_i, x_j) - \sum_{i=1}^{N} \alpha_i K(x_i, x_i)$$
s.t. 
$$\sum_{i=1}^{N} \alpha_i = 1$$

$$0 \le \alpha_i \le C \quad i = 1, \dots N$$

#### Como Funciona na Prática?

#### 1. Treinamento:

- o modelo ajusta os α's para minimizar o custo, usando a similaridade entre os dados (K).
- Pontos com  $\alpha > 0$  são os **vetores de suporte** que definem a fronteira.

#### 2. Detecção de Anomalias:

 Um novo ponto x<sub>t</sub> é classificado como normal se estiver "perto o suficiente" dos vetores de suporte (calculado via K).

$$\min_{\alpha} \quad \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j K(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_j) - \sum_{i=1}^{N} \alpha_i K(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_i)$$
s.t. 
$$\sum_{i=1}^{N} \alpha_i = 1$$

$$0 \le \alpha_i \le C \quad i = 1, \dots N$$

### Analogia:

lmagine que os α's são "pesos" que você atribui a diferentes amigos em uma foto de grupo:

- Amigos com α alto são os que definem os limites da foto (vetores de suporte).
- Amigos com α = 0 estão no meio da foto e não afetam os limites.
- C é como o tamanho do quadro: um quadro pequeno (C alto) exclui alguns amigos; um quadro grande (C baixo) inclui mais.

$$\min_{\alpha} \quad \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{N} \alpha_i \alpha_j K(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_j) - \sum_{i=1}^{N} \alpha_i K(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_i)$$
s.t. 
$$\sum_{i=1}^{N} \alpha_i = 1$$

$$0 \le \alpha_i \le C \quad i = 1, \dots N$$

#### Resumo:

- A fórmula ajusta uma "bolha" flexível ao redor dos dados normais usando α's e kernels.
- C controla o equilíbrio entre precisão e flexibilidade.
- Kernels permitem detectar padrões complexos sem cálculos complicados.

#### Exemplo de Aplicação:

Em uma fábrica, o modelo usa dados normais (ex: vibração de máquinas) para criar uma "bolha".

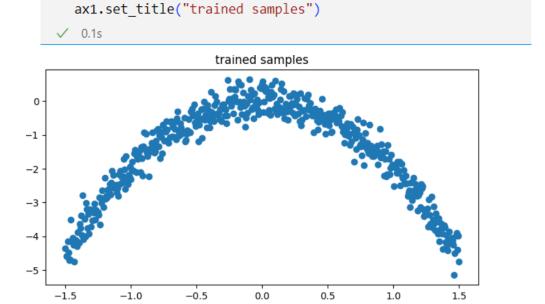
Se um novo dado (vibração anormal) ficar fora, um alerta é acionado! 👗

```
# read data
import numpy as np
X = np.loadtxt('SVDD_toyDataset.csv', delimiter=',')

    0.2s

import matplotlib.pyplot as plt
```

fig, (ax1) = plt.subplots(nrows=1, ncols=1, figsize=(8, 4))



ax1.scatter(X[:, 0], X[:, 1])

```
# read data
import numpy as np
X = np.loadtxt('SVDD_toyDataset.csv', delimiter=',')
# compute bandwidth via modified mean criteria
import scipy
N = X.shape[0]
phi = 1/np.log(N-1)
delta = -0.14818008*np.power(phi,4) + 0.2846623624*np.power(phi,3) - 0.252853808*np.power(phi,2)
      + 0.159059498*phi - 0.001381145
D2 = np.sum(scipy.spatial.distance.pdist(X, 'sqeuclidean'))/(N*(N-1)/2)
sigma = np.sqrt(D2/np.log((N-1)/delta*delta))
gamma = 1/(2*sigma*sigma)
# SVM fit
from sklearn.svm import OneClassSVM
model = OneClassSVM(nu=0.01, gamma=gamma).fit(X) # nu corresponds to f
```

```
import matplotlib.pyplot as plt
plt.figure()
plt.scatter(X[:, 0], X[:, 1], edgecolors='k', alpha=0.8)
plt.xlabel('x1')
plt.ylabel('x2')
# get axis limits
ax = plt.gca()
xlim = ax.get xlim()
ylim = ax.get ylim()
# create grid to evaluate model
xx = np.linspace(xlim[0], xlim[1], 100)
yy = np.linspace(ylim[0], ylim[1], 100)
YY, XX = np.meshgrid(yy, xx)
xy = np.vstack([XX.ravel(), YY.ravel()]).T
Z = model.decision_function(xy).reshape(XX.shape)
# plot decision boundary and supporting planes
ax.contour(XX, YY, Z, levels=[0], alpha=0.9, linestyles=['-'], colors=['red'])
plt.show()
```

# plot SVM boundaries

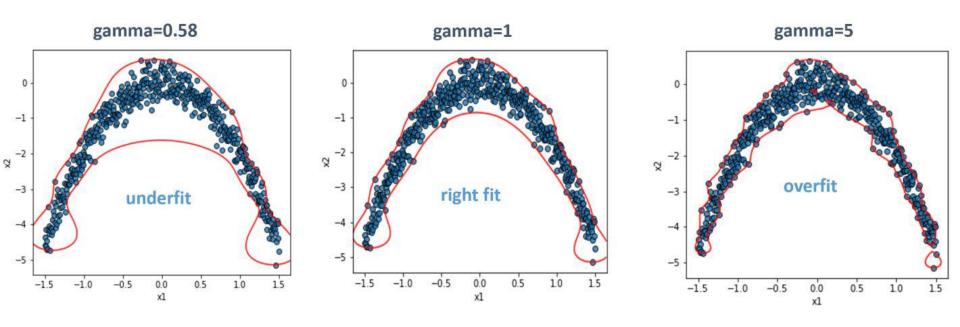
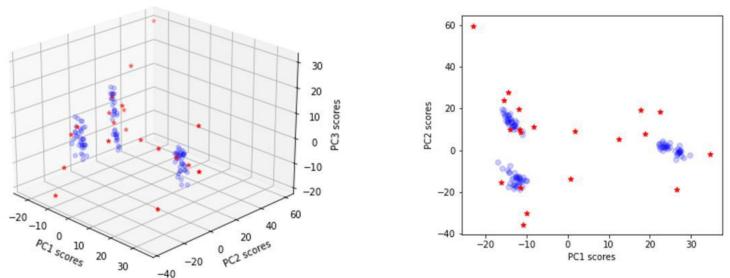


Figura 7.8: Aplicação SVDD para descrição de dados e impacto do hiperparâmetro do modelo.

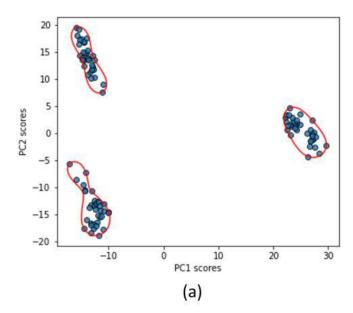
Detecção de falhas de processo via SVDD - Processo de fabricação de semicondutores

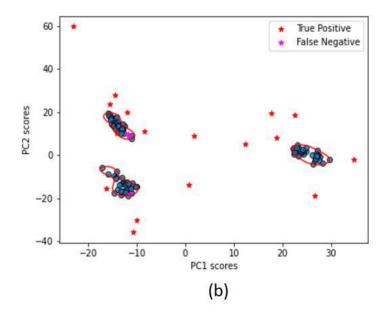


Dados de processo em lote contém 19 variáveis de processo medidas ao longo de 108 lotes normais e 21 lotes com defeito.

A duração dos lotes varia de 95 a 112 segundos (consulte o apêndice para mais detalhes).

```
# read data
import numpy as np
X_train = np.loadtxt('Metal_etch_2DPCA_trainingData.csv', delimiter=',')
# fit SVM
from sklearn.svm import OneClassSVM
model = OneClassSVM(nu=0.01, gamma=0.025).fit(X_train) # gamma from modified mean
criterion = 0.0025
# predict for test data
X test = np.loadtxt('Metal_etch_2DPCA_testData.csv', delimiter=',')
y test = model.predict(X test) # y=-1 for outliers
print('Number of faults identified: ', np.sum(y test == -1), ' out of ', len(y test))
```





# Regressão por Vetores de Suporte (SVR)

- Variante de regressão do SVM
- Cria tubo-ε ao redor da curva de previsão
- Penaliza pontos fora do tubo
- Equilibra complexidade e precisão
- Usa truque do kernel para regressão não linear

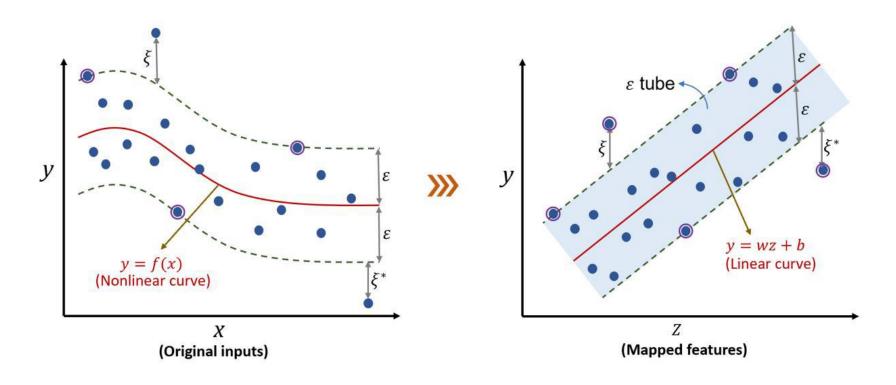


Figura 7.11: Ilustração SVR Kernelizada para ajuste de curva não linear

### Estrutura Matemática do SVR

- Minimiza complexidade do modelo
- Usa função de perda ε-insensível
- Formulação dual com funções kernel
- Vetores de suporte determinam curva de regressão
- Previsões baseadas em avaliações kernel

Encontrar os parâmetros w (vetor de pesos), b (viés) e as variáveis de folga  $\xi_l$ ,  $\xi_l^*$  que minimizem a seguinte função:

Minimizar: 
$$\frac{1}{2} ||w||^2 + C \sum_{i=1}^{N} (\xi_i + \xi_i^*)$$

### Sujeito às restrições:

- 1.  $y_i \boldsymbol{w}^T \phi(\boldsymbol{x_i}) b \leq \varepsilon + \xi_i$
- 2.  $\boldsymbol{w}^T \phi(\boldsymbol{x_i}) + b y_i \leq \varepsilon + \xi_i^*$
- 3.  $\xi_i \geq 0$ ,  $\xi_i^* \geq 0$ , para i = 1, ..., N
  - 1. O que está sendo otimizado?
    - **Primeiro termo** ( $\frac{1}{2}||w||^2$ ): Controla a "complexidade" do modelo. Quanto menor ||w||, mais "suave" é a função de predição (evita overfitting).
    - Segundo termo ( $C \sum (\xi_i + \xi_i^*)$ ): Penaliza erros fora de uma margem  $\varepsilon$ . C define o quanto esses erros são tolerados (quanto maior C, menos erros são permitidos).

Encontrar os parâmetros w (vetor de pesos), b (viés) e as variáveis de folga  $\xi_l$ ,  $\xi_l^*$  que minimizem a seguinte função:

Minimizar: 
$$\frac{1}{2} \|\boldsymbol{w}\|^2 + C \sum_{i=1}^{N} (\xi_i + \xi_i^*)$$

### Sujeito às restrições:

- 1.  $y_i oldsymbol{w}^T \phi(oldsymbol{x_i}) b \leq arepsilon + \xi_i$
- 2.  $oldsymbol{w}^T\phi(oldsymbol{x_i}) + b y_i \leq arepsilon + \xi_i^*$
- 3.  $\xi_i \geq 0$  ,  $\xi_i^* \geq 0$  , para  $i=1,\ldots,N$

# 2. Restrições:

- As duas primeiras restrições definem um "tubo de tolerância" de largura  $2\varepsilon$  em torno da predição. Se o valor real  $y_i$  estiver dentro desse tubo ( $\pm\varepsilon$ ), não há penalização ( $\xi_i=\xi_i^*=0$ ).
- Slack variables ( $\xi_i$ ,  $\xi_i^*$ ): Medem quanto um ponto ultrapassa a margem  $\varepsilon$ . São nãonegativas e penalizadas na função objetivo.

Encontrar os parâmetros w (vetor de pesos), b (viés) e as variáveis de folga  $\xi_l$ ,  $\xi_l^*$  que minimizem a seguinte função:

Minimizar: 
$$\frac{1}{2} \|\boldsymbol{w}\|^2 + C \sum_{i=1}^{N} (\xi_i + \xi_i^*)$$

### Sujeito às restrições:

- 1.  $y_i \boldsymbol{w}^T \phi(\boldsymbol{x_i}) b \leq \varepsilon + \xi_i$
- 2.  $\boldsymbol{w}^T \phi(\boldsymbol{x_i}) + b y_i \leq \varepsilon + \xi_i^*$
- 3.  $\xi_i \geq 0$ ,  $\xi_i^* \geq 0$ , para i = 1, ..., N

#### 3. Interpretação geométrica:

• O modelo busca um **hiperplano** ( $w^T \phi(x) + b$ ) que ajuste os dados com uma margem  $\varepsilon$ . Pontos dentro do tubo são ignorados; pontos fora geram "custos" proporcionais a  $\xi_i$  e  $\xi_i^*$ .

Encontrar os parâmetros w (vetor de pesos), b (viés) e as variáveis de folga  $\xi_l$ ,  $\xi_l^*$  que minimizem a seguinte função:

Minimizar: 
$$\frac{1}{2} \| \boldsymbol{w} \|^2 + C \sum_{i=1}^{N} (\xi_i + \xi_i^*)$$

### Sujeito às restrições:

1. 
$$y_i - \boldsymbol{w}^T \phi(\boldsymbol{x_i}) - b \leq \varepsilon + \xi_i$$

2. 
$$\boldsymbol{w}^T \phi(\boldsymbol{x_i}) + b - y_i \leq \varepsilon + \xi_i^*$$

3. 
$$\xi_i \geq 0$$
 ,  $\xi_i^* \geq 0$  , para  $i = 1, \dots, N$ 

#### 4. Parâmetros-chave:

- $\varepsilon$ : Largura do tubo de tolerância (erros dentro são aceitos).
- $\circ$  C: Controla o equilíbrio entre a complexidade do modelo ( $\|w\|$ ) e a permissividade com erros.

Encontrar os parâmetros w (vetor de pesos), b (viés) e as variáveis de folga  $\xi_l$ ,  $\xi_l^*$  que minimizem a seguinte função:

Minimizar: 
$$\frac{1}{2} \| \boldsymbol{w} \|^2 + C \sum_{i=1}^{N} (\xi_i + \xi_i^*)$$

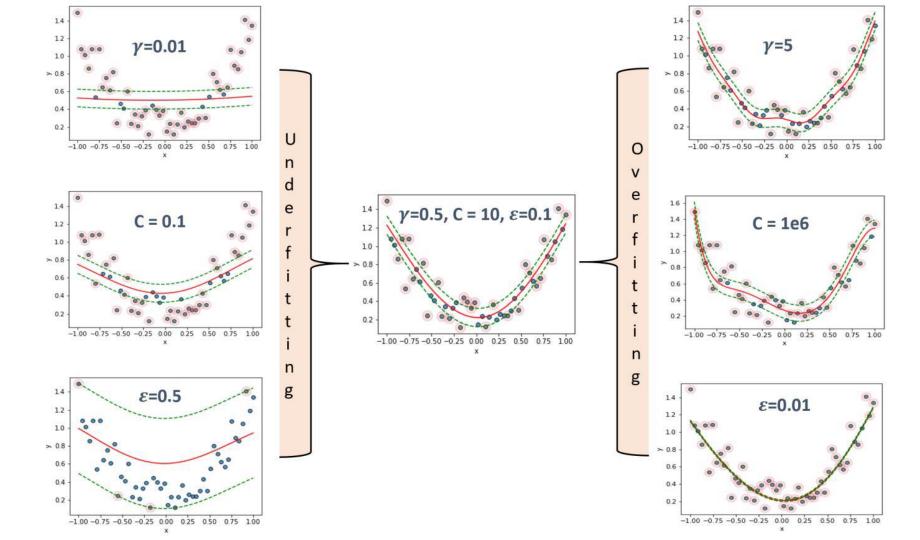
### Sujeito às restrições:

- 1.  $y_i \boldsymbol{w}^T \phi(\boldsymbol{x_i}) b \leq \varepsilon + \xi_i$
- 2.  $\boldsymbol{w}^T \phi(\boldsymbol{x_i}) + b y_i \leq \varepsilon + \xi_i^*$
- 3.  $\xi_i \geq 0$ ,  $\xi_i^* \geq 0$ , para i = 1, ..., N

A função  $\phi$  ( x ) permite modelar relações não lineares ao mapear os dados para um espaço de dimensão superior

# Hiperparâmetros do SVR

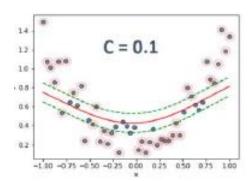
- C: Controla equilíbrio entre complexidade e ajuste
- ε: Define largura do tubo
- γ: Parâmetro do kernel (para RBF)
- C grande: Maior precisão de ajuste
- ε pequeno: Mais vetores de suporte

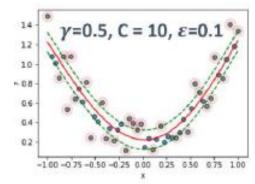


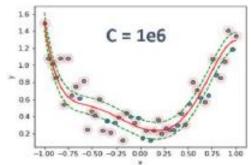
#### Impacto dos Hiperparâmetros no SVR (Kernel RBF):

#### 1. C (Penalidade de Erro):

- C alto: Prioriza a redução de erros (pontos fora do tubo  $\varepsilon$  são fortemente penalizados).
  - Resultado: Modelo mais complexo, risco de overfitting.
- C baixo: Tolerância a erros maiores.
  - Resultado: Modelo mais simples, risco de underfitting.

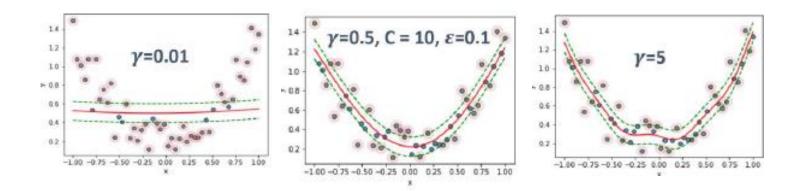






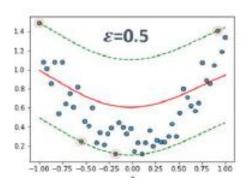
#### 2. y (Gamma - Kernel RBF):

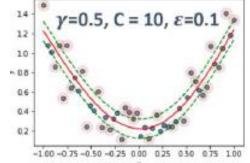
- γ alto: O kernel RBF tem alcance curto (ex.: cada ponto influencia apenas regiões próximas).
  - Resultado: Modelo "pontiagudo", ajusta-se a detalhes (overfitting).
- y baixo: O kernel RBF tem alcance amplo (ex.: pontos influenciam regiões maiores).
  - Resultado: Modelo mais suave, generaliza melhor (underfitting).

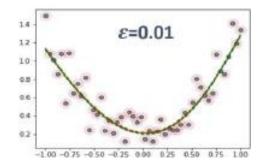


#### 3. $\varepsilon$ (Epsilon - Largura do Tubo):

- ε grande: Tubo de tolerância amplo.
  - o Resultado: Modelo plano, ignora variações pequenas (underfitting).
- ε pequeno: Tubo estreito.
  - Resultado: Modelo sensível a detalhes, mais vetores de suporte (overfitting se não controlado).







### **SVR vs Redes Neurais**

- Ambos lidam com relações não lineares
- SVR: Determinação automática da estrutura
- SVR: Menos hiperparâmetros
- SVR: Melhor para conjuntos pequenos/médios
- SVR: Identificação explícita de pontos importantes

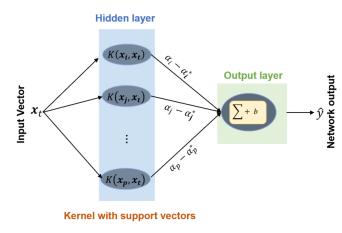


Fig: Network representation of SVR prediction

## Detecção suave via SVR em uma planta de processamento de polímeros

- O conjunto de dados consiste em 61 amostras de 14 variáveis (10 preditores e 4 saídas da planta).
- Os preditores correspondem a temperaturas, taxas de alimentação
- Os dados é particularmente adequado para testar a robustez de métodos de modelagem não linear para dados irregularmente esparsos.

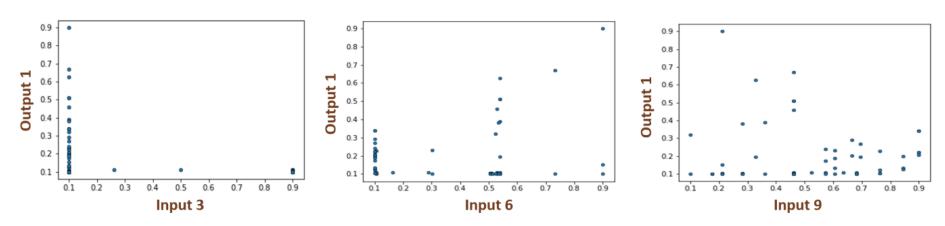


Figura 7.13: Distribuição das entradas e saídas do processo de polímero 1

```
# read data
import numpy as np
data = np.loadtxt('polymer.dat')
X, Y = data[:, 0:10], data[:, 10:]
v = Y[:, 0] # modeling the 1<sup>st</sup> output
# fit SVR model using grid-search
from sklearn.svm import SVR
from sklearn.model selection import GridSearchCV
model = SVR(epsilon=0.01) # default epsilon = 0.1
param\_grid = [\{'gamma': np.linspace(0.1e-05,5,100), 'C': np.linspace(0.01,5000,100)\}]
gs = GridSearchCV(model, param_grid, scoring='neg mean squared error', cv=10)
```

```
gs.fit(X, y)
print('Optimal hyperparameter:', gs.best_params_)
>>> Optimal hyperparameter: {'C': 50.51, 'gamma': 0.1}
# predict using the best model
y predicted SVR = gs.predict(X)
# plots of raw and predicted data
import matplotlib.pyplot as plt
plt.figure()
plt.plot(y, y predicted SVR, '.', markeredgecolor='k', markeredgewidth=0.5, ms=9)
plt.plot(y, y, '-r', linewidth=0.5)
plt.xlabel('measured data'), plt.ylabel('predicted data ')
```

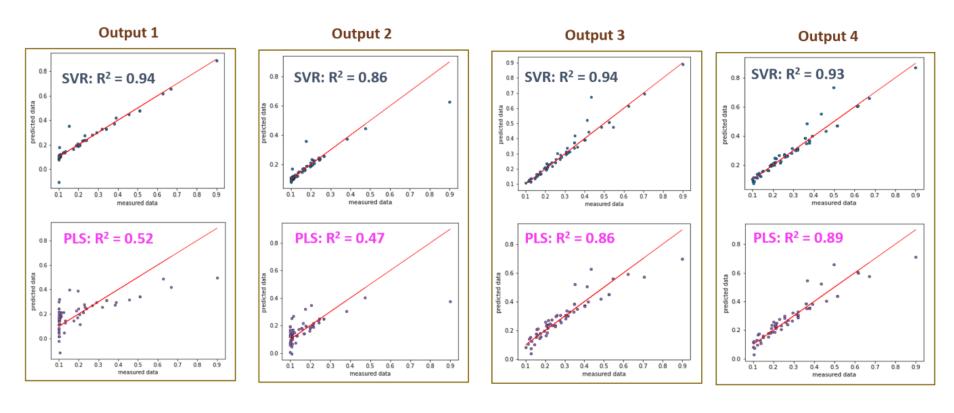
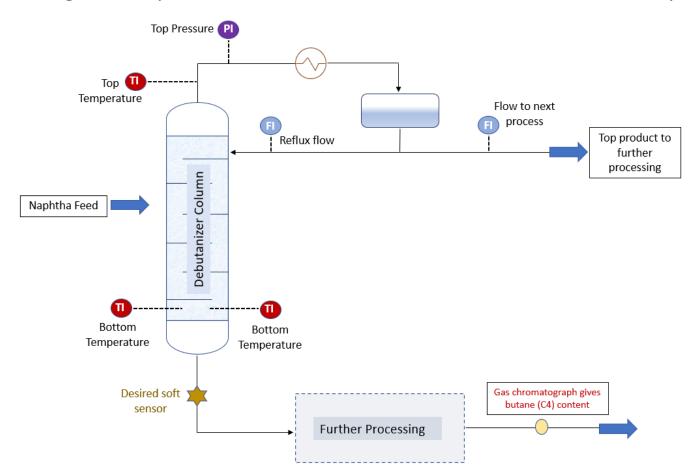


Figure 7.14: SVR and PLS predictions for polymer plant dataset. The red line denotes the ideal y<sub>prediction</sub> = y<sub>measured</sub> reference.

## Soft Sensing via SVR para coluna de debutanizadora em uma refinaria de petróleo



Soft Sensing via SVR para coluna de debutanizadora em uma refinaria de petróleo

- Dados de tamanho médio que vem de uma operação de coluna de debutanizador em uma refinaria de petróleo.
- O conteúdo de butano (C4) no produto de fundo de gasolina da coluna de debutanizador não está disponível em tempo real.
- Precisa ser previsto usando outros dados de processo ao redor da coluna.
- O conjunto de dados contém 2394 amostras de valores de processo de entrada-saída.
- Sete variáveis de processo (pressões, temperaturas, fluxos ao redor da coluna) são usadas como preditores.

### Soft Sensing via SVR para coluna de debutanizadora em uma refinaria de petróleo

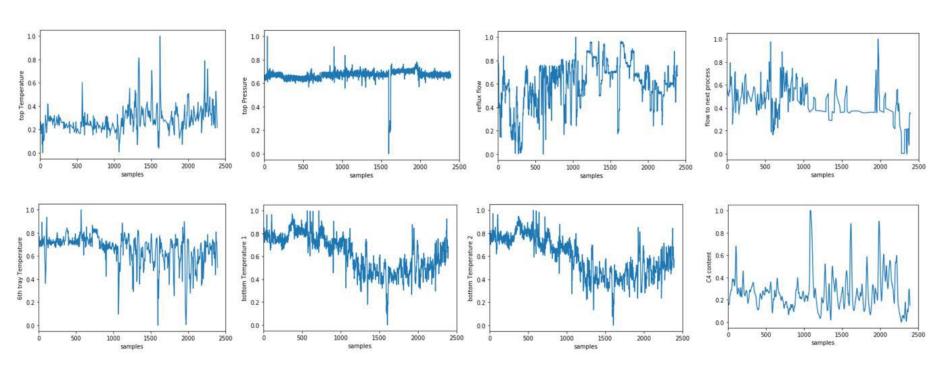


Figura 7.15: Gráficos de variáveis de entrada e saída (último gráfico) para o conjunto de dados da coluna debutanizer

```
# read data
import numpy as np
data = np.loadtxt('debutanizer_data.txt', skiprows=5)

# separate train and test data
from sklearn.model_selection import train_test_split
X, y = data[:,0:-1], data[:,-1]
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size = 0.33, random_state = 100)
```

# fit SVR model via grid-search

from sklearn.svm import SVR

from sklearn.model\_selection import GridSearchCV

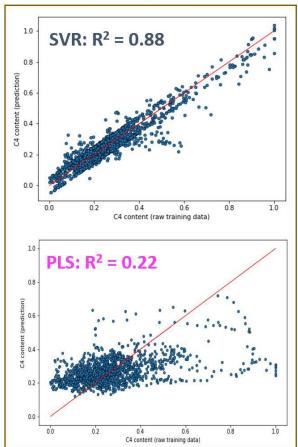
model = SVR(epsilon=0.05)

gs.fit(X train, y train)

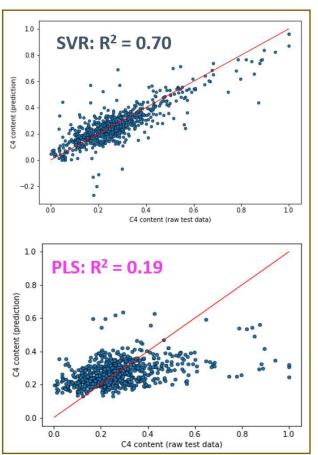
 $param_grid = [\{'gamma': np.linspace(1,10,10), 'C': np.linspace(0.01,500,10)\}]$ 

gs = GridSearchCV(model, param\_grid, scoring='neg\_mean\_squared\_error', cv=10)

## **Training data**



#### Test data



# Aplicações Industriais: Classificação

- Monitoramento de processos
- Detecção de falhas
- Controle de qualidade
- Reconhecimento de padrões
- Detecção de anomalias

# Aplicações Industriais: Regressão

- Sensoriamento virtual
- Previsão de parâmetros de processo
- Estimação de variáveis de qualidade
- Monitoramento em tempo real
- Otimização de processos

# Vantagens do SVM

- Ótimo global garantido
- Efetivo em altas dimensões
- Eficiente em memória
- Funções kernel versáteis
- Generalização robusta

# Limitações e Considerações

- Seleção do kernel pode ser desafiadora
- Computacionalmente intensivo para grandes conjuntos de dados
- Sensível à seleção de hiperparâmetros
- Natureza caixa-preta do mapeamento kernel
- Requer dados de treinamento de qualidade