

# AQUECIMENTO PARA PRÉ-PROVA (VÁLIDO COMO ATIVIDADE DE SALA)

## 1. INÍCIO DE UMA GENE NO DNA

Crie um programa em C que receba uma sequência de DNA de até 100 bases e informe se o mesmo possui um *start codon* (início de um gene) que consiste na sequência ATG.

Caso possua apresente a saída EXISTE, caso não possua apresente a saída INEXISTENTE.

Exemplos

ENTRADA: ATTAAACCAAGACAGA

SAÍDA: INEXISTENTE

-----

ENTRADA: ATTAAATGCCAAGACAGA

SAÍDA: EXISTE

-----

**IMPORTANTE:** Faça a leitura da sequência de DNA com o comando `gets(dna)`; onde `dna` é o vetor do tipo `char`. Não se esqueça de limpar o buffer do teclado antes de ler: `fflush(stdin)`.

**For example:**

Input	Result
ATTAAACCAAGACAGA	INEXISTENTE
ATTAAATGCCAAGACAGA	EXISTE

## 2. VERIFICAÇÃO NA MATRIZ

Receba ou gere dados para uma matriz de números inteiros de ordem 5 . Após a leitura apresente a quantidade de números pares e a quantidade de números ímpares e apresente como resultado.

**Exemplo:**

**ENTRADA**

10 | 39 | 15 | 31 | 19 |  
4 | 26 | 45 | 43 | 17 |  
40 | 37 | 29 | 37 | 49 |  
29 | 25 | 43 | 6 | 49 |  
20 | 1 | 35 | 6 | 10 |

**SAÍDA**

Pares:8

Impares:17

**For example:**

Input	Result
10 39 15 31 19 4 26 45 43 17 40 37 29 37 49 29 25 43 6 49 20 1 35 6 10	Pares:8 Impares:17
40 29	Pares:13 Impares:12

Input	Result
15	
15	
0	
25	
40	
48	
34	
5	
36	
1	
5	
49	
44	
44	
44	
36	
34	
12	
49	
26	
49	
33	
41	