eda 2

October 11, 2022

1 Explorative Datenanalyse Part 2

```
[6]: from rnaloops.data_explorer.import_helper import *
df = get_prepared_df()
```

1.1 Übersicht der Daten

Laut website sind für die Loop Types folgende Anzahl an Strukturen vorhanden - 3-way junction 33657 - 4-way junction 22518 - 5-way junction 12381 - 6-way junction 3679 - 7-way junction 4460 - 8-way junction 3131 - 9-way junction 1758 - 10-way junction 269 - 11-way junction 1836 - 12-way junction 147 - 13-way junction 52 - 14-way junction 373

Wir können das überprüfen:

```
[2]: our = df.groupby(['loop_type'])['loop_type'].count()
web = [33657, 22518, 12381, 3679, 4460, 3131, 1758, 269, 1836, 147, 52, 373]
print('Percentage of structures of different loop types that we can access:')
{key: x/y*100 for key, x, y in zip(our.index, our.values, web)}
```

Percentage of structures of different loop types that we can access:

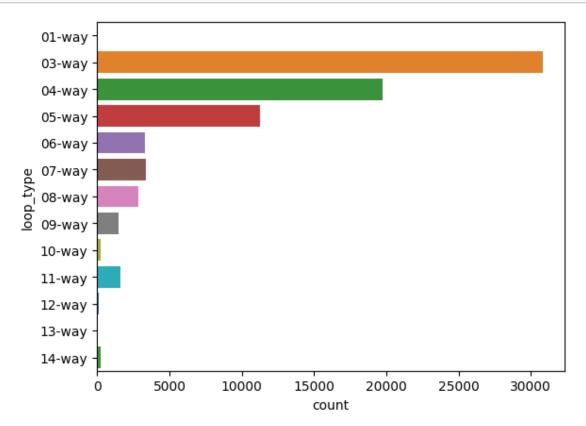
Die meisten Strukturen (>90%) haben 8 oder weniger Stems.

In diesem Bereich haben wir i.d.R. auch 90% der laut Autoren zur Verfügung stehenden Strukturen in unseren Daten.

Nur bei 7-way junctions ist der Anteil deutlich kleiner (~76%), das sollten wir im vielleicht im Kopf behalten...

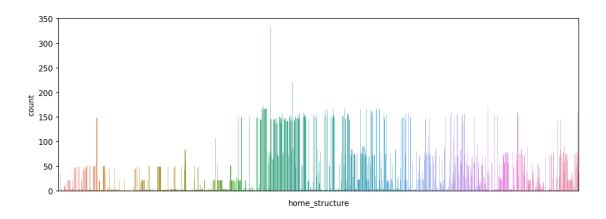
Für die Analyse sind way-3 bis way-8 Strukturen also vermutlich am sinnvollsten, hier haben wir ausreichend Daten:

```
[7]: _ = sns.countplot(data=df, y='loop_type', orient='v', palette="tab10")
```



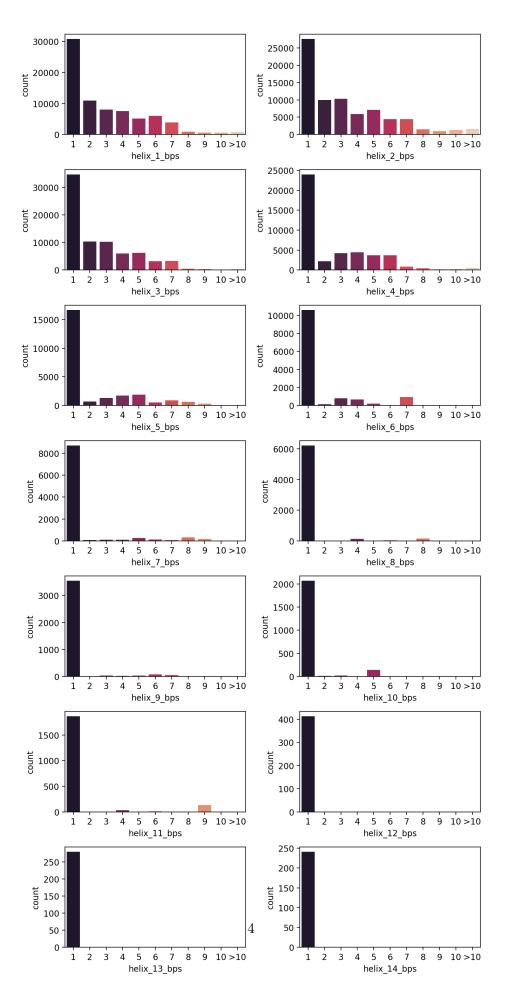
Wir können auch die Verteilung auf die home_structure anschauen, aber hier gibt es zu viele um wirklich was zu erkennen:

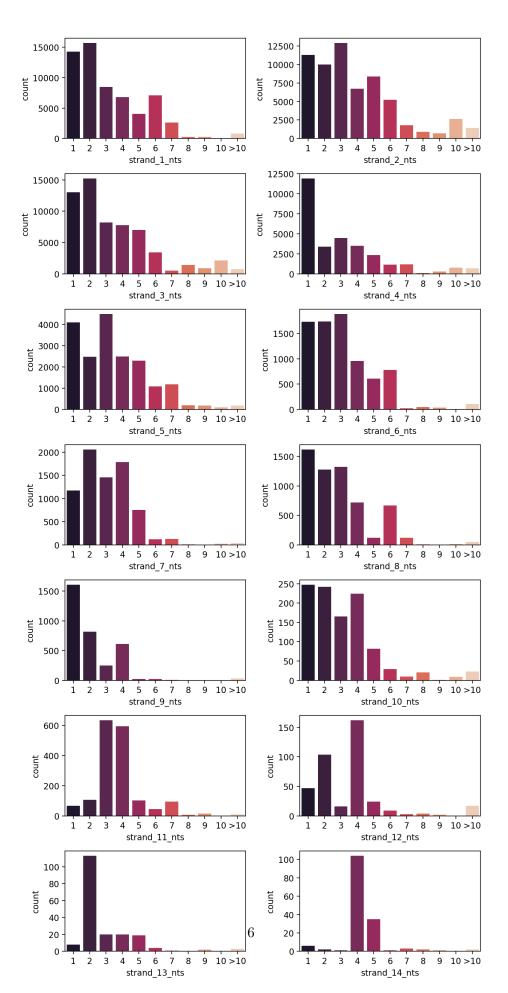
```
[13]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(12, 4), dpi=150)
sns.countplot(data=df, x='home_structure', orient='h', ax=ax)
ax.set_xticklabels('')
_ = plt.tick_params(bottom = False)
```



1.2 Verteilung einzelner Feature

Jetzt könnte z.B. die Verteilung der Längen von (1) connection Helix und (2) verbindende Strands, sowie die Verteilungen der Euler und Planaren Winkel (3) dargestellt werden:





```
[22]: # (3) Verteilung der Euler- und planaren Winkel:

fig, ax = plt.subplots(7, 2, figsize=(10, 12), dpi=150)

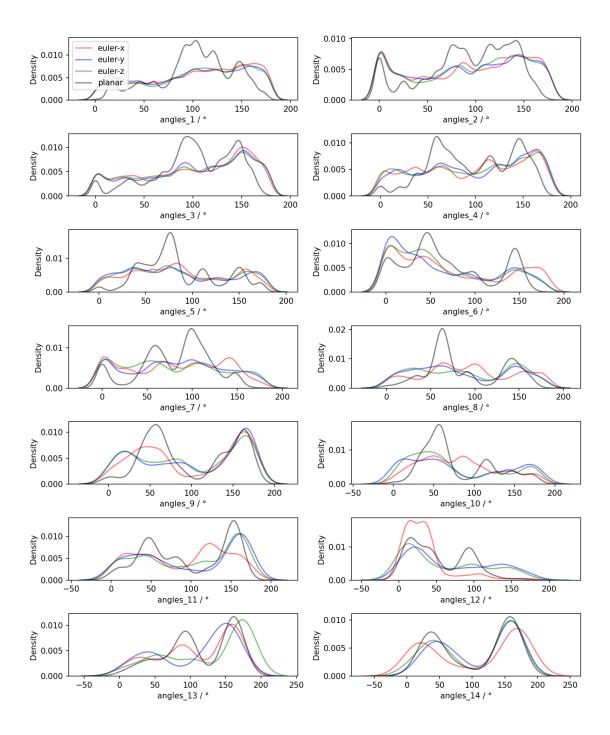
for idx, a in enumerate(ax.ravel()[:14]):

    x = sns.kdeplot(data=df, x=f'euler_x_{idx+1}', ax=a, alpha=0.5, color='r')
    y = sns.kdeplot(data=df, x=f'euler_y_{idx+1}', ax=a, alpha=0.5, color='b')
    z = sns.kdeplot(data=df, x=f'euler_z_{idx+1}', ax=a, alpha=0.5, color='g')
    p = sns.kdeplot(data=df, x=f'planar_{idx+1}', ax=a, alpha=0.5, color='k')

if idx == 0:
    a.legend(['euler-x', 'euler-y', 'euler-z', 'planar'])

a.set_xlabel(f'angles_{idx+1} / °')

plt.tight_layout()
```



Man sieht schon ein paar Auffälligkeiten, die man diskutieren könnte.

Interessant wäre noch zu sehen, wie die Verteilungen je nach loop-type aussehen, den haben wir in den Plots oben gar nicht berücksichtigt.

Wir konzentrieren uns auf way-3 bis way-8, wobei noch zu diskutieren ist, ob wir den Rest wirklich komplett ignorieren:

1.3 Verteilung von Featuren nach Loop-Typ

Wir können jetzt die einzelnen Helixlängen nach Loop Typen gruppieren und jeweils einen 2D Plot (Heatmap) erzeugen:

```
[177]: # (1) Verteilung der Helixlängen nach Looptyp:

fig, ax = plt.subplots(4, 2, figsize=(12, 8), dpi=200)

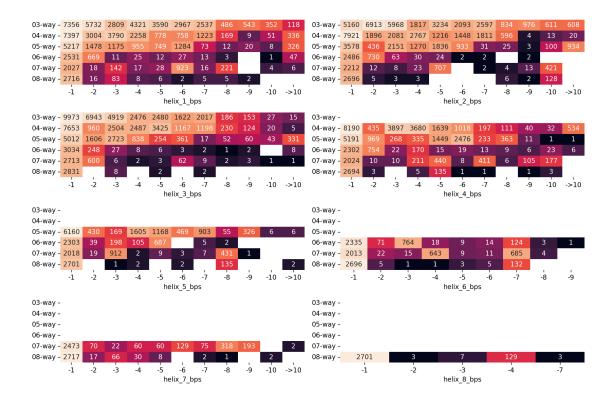
for idx, a in enumerate(ax.ravel()[:8]):

    key = f'helix_{idx+1}_bps'
    data = df[df[key]>0]
    data.loc[data[key]>10, key] = '>10'

grouped = data.groupby(['loop_type', key]).count()
    matrix = grouped[['db_notation']].unstack(level=1)
    matrix = matrix.rename(columns={'db_notation': ''})

sns.heatmap(matrix, norm=LogNorm(), annot=True, fmt='d', ax=a, cbar=False)
    a.set_xlabel(key)
    a.set(ylabel=None)

plt.tight_layout()
```



```
fig, ax = plt.subplots(4, 2, figsize=(12, 8), dpi=200)

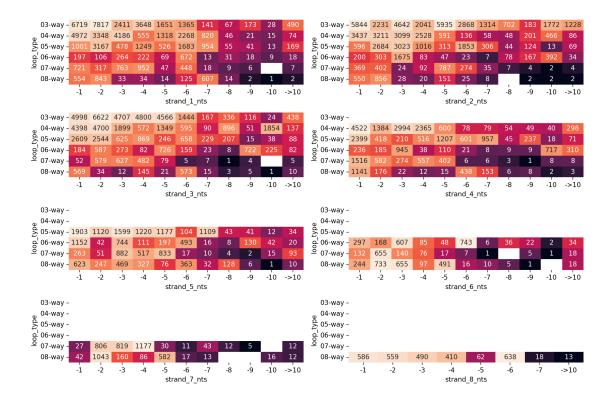
for idx, a in enumerate(ax.ravel()[:8]):

    key = f'strand_{idx+1}_nts'
    data = df[df[key]>0]
    data.loc[data[key]>10, key] = '>10'

grouped = data.groupby(['loop_type', key]).count()
    matrix = grouped[['db_notation']].unstack(level=1)
    matrix = matrix.rename(columns={'db_notation': ''})

sns.heatmap(matrix, norm=LogNorm(), annot=True, fmt='d', ax=a, cbar=False)
    _ = a.set_xlabel(key)
    a.set(ylabel=None)

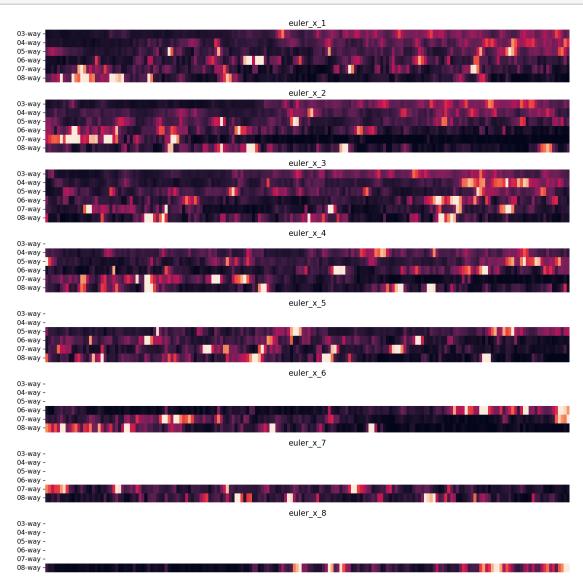
plt.tight_layout()
```



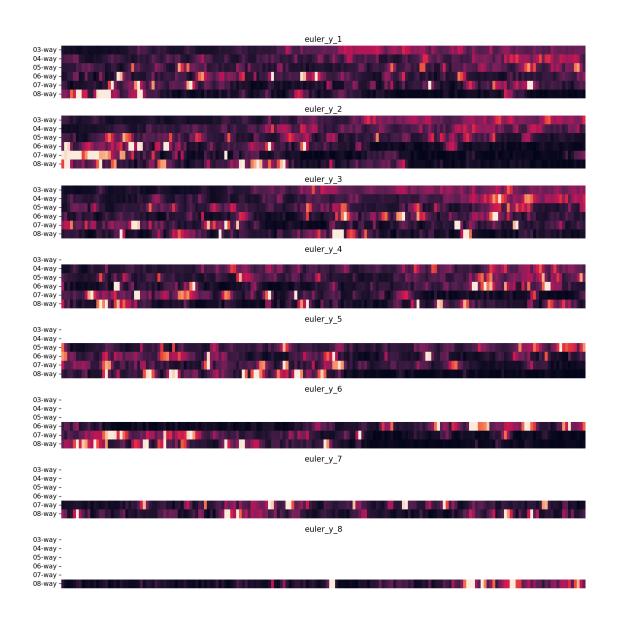
```
a.axes.get_xaxis().set_visible(False)

plt.tight_layout()
```

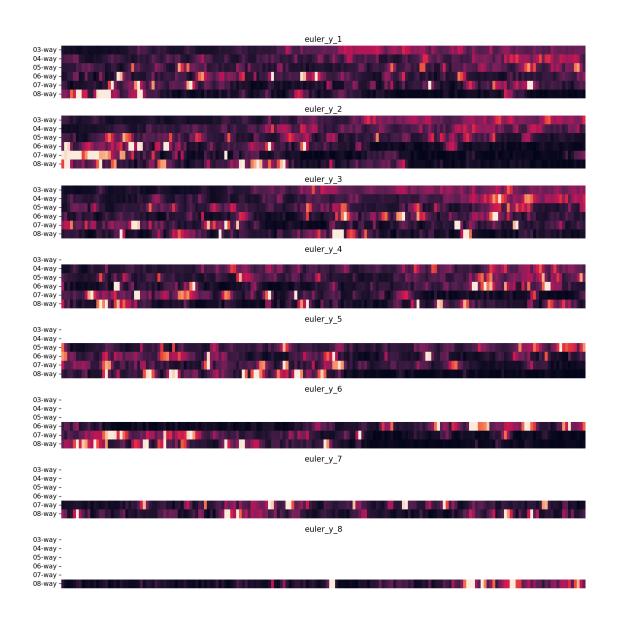
[217]: # (3.1) Verteilung der x Eulerwinkel nach Looptyp: angle_distribution('euler_x')



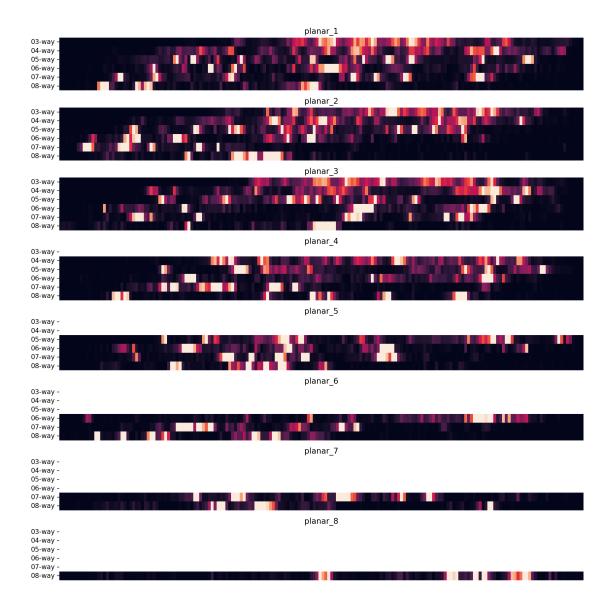
```
[218]: # (3.2) Verteilung der y Eulerwinkel nach Looptyp:
angle_distribution('euler_y')
```



```
[219]: # (3.3) Verteilung der z Eulerwinkel nach Looptyp: angle_distribution('euler_y')
```



[220]: # (4) Verteilung der Planarwinkel nach Looptyp:
angle_distribution('planar')



Man kann in den Plots schon ein paar Muster erkennen, vielleicht kann irgendetwas davon noch interessant sein.

Wir können auch noch zusammenfassende Darstellungen erzeugen.

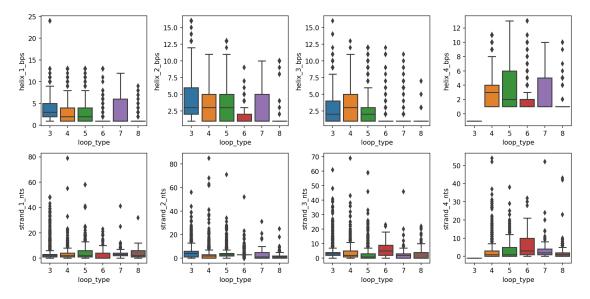
Wir nutzen dafür die Funktion get_loop_types() aus explore_fcts.py, die nur relevante Spalten und Zeilen eines oder mehrerer Loop-Typen zurückgibt.

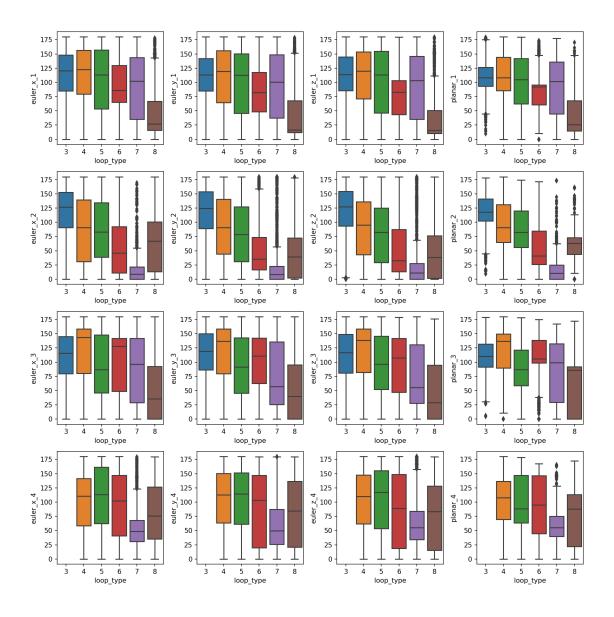
Mit Hilfe davon erhält df beim Laden die Attribute df.way1 bis df.way14 mit den Teil-DataFrames für diese Loop-Typen, außerdem df.upto8 mit allen Loop-Typen bis 8:

```
[12]: # Helix und Strand Längen:

fig, ax = plt.subplots(2, 4, figsize=(12, 6), dpi=150)
for i in range(1, 5):
    for j, label in enumerate([f'helix_{i}_bps', f'strand_{i}_nts']):
```

```
sns.boxplot(data=df.upto8, y=label, x='loop_type', ax=ax[j, i-1])
ax[j, i-1].set_xticklabels(range(3, 9))
plt.tight_layout()
```





Jetzt stellt sich die Frage, welche Gruppen und welche Feature weiter betrachtet werden sollen.

1.4 Beziehungen der Feature in den Loop-Typ Gruppen

Wir können jetzt die Loop-Typen separat untersuchen. Wir müssen noch entscheiden welche wir dazu berücksichtigen.

Wir können dann Beziehungen und Verteilungen der numerischen Feature weiter untersuchen um zu entscheiden welche relevant sind.

Wir können auch die kategorischen und string Feature berücksichtigen, müssten diese aber erst transformieren, daher sollte vorher klar sein welche davon sinnvoll sind.

Ein nächster Schritt könnte z.B. sein, Korrelationen zu betrachten:

```
[16]: fig, ax = plt.subplots(figsize=(7, 7), dpi=120)
sns.heatmap(df.way3.corr(), annot=df.way3.corr()*100, cbar=False, fmt='.0f')
_ = ax.set_title('Korrelationen numerischer Feature der 3-way Strukturen / %')
```

Korrelationen numerischer Feature der 3-way Strukturen / % 4 -13 -2 -15 helix 1 bps -100 1 -39 -11 10 2 16 -22 helix 2 bps -100 -9 -3 -23 3 -3 -10 -12 helix 3 bps - -13 -9 100 1 22 28 -16 -13 21 -5 19 -30 -11 36 -17 19 -17 -3 strand 1 nts --3 100 4 20 13 -1 -0 8 5 -3 8 6 -3 16 8 12 strand 2 nts - -39 22 100 -15 3 -9 11 -21 26 -23 14 -1 6 4 strand 3 nts -28 20 12 100 -1 -19 14 -10 18 -12 -8 20 -10 -19 29 euler x 1 --3 -16 **13** -15 -1 **100** -48 -31 11 -8 5 -10 -35 -12 euler x 2 -3 -19 -48 100 -40 17 15 -28 68 -40 -13 -16 -21 -4 euler x 3 - -11 -10 21 -0 14 14 -31 -40 100 -5 4 -21 -19 euler y 1 - 10 -5 100 -41 0 -3 -20 -27 -2 -17 8 -9 -10 11 -4 -42 -1 euler y 2 --5 -5 5 -7 -8 17 -41 100 -38 5 -24 -22 euler y 3 - -15 18 -16 -42 -38 100 -3 -21 -29 -3 19 -3 11 3 -0 euler z 1 --35 -46 -12 -28 -17 8 -1 -12 -4 0 -3 100 euler z 2 -2 -3 -8 15 -1 5 -0 -35 100 -39 -25 -20 6 6 -10 4 euler z 3 --7 -4 19 -3 4 20 9 -21 -3 -5 -46 -39 100 -20 -31 planar 1 -16 -30 -21 -10 -28 -24 -21 -25 -20 **100** -43 -40 -6 16 -21 planar 2 -3 -11 8 -19 -35 68 -19 -20 -29 -12 -31 -43 100 planar 3 -36 26 29 -12 -40 -22 -28 -40 -46 100 planar_1 strand_3_nts helix_2_bps strand_2_nts euler_x_1 euler_x_ euler_x_ euler_y_ euler_z_ planar_ planar_ euler_y_

Offensichtlich sind nicht alle Winkel unabhängig, wir sollten das berücksichtigen.

Weitere Untersuchungen der Feature aber dann in eda_3.ipynb, dieses Notebook ist schon voll genug...

```
[1]: test = 'blas'
print(test)
```

blas