Algorytm znajdowania sumy podzbioru

You

13 lutego 2023

Streszczenie

Problem istnienia podzbioru o sumie t zawierającego się w n-elementowym (multi)zbiorze $S \subset \mathbb{N}$, jest jednym z klasycznych problemów algorytmicznych. Problem w ogólności jest problemem NP-zupełnym [1] jednak jeżeli t jest względnie małe i dysponujemy pamięcią $\Omega(t)$ istnieją algorytmy działające w czasie wielomianowym od długości wejścia, z czego najbardziej znanym jest działający w czasie O(nt) algorytm oparty na programowaniu dynamicznym.

Celem niniejszej pracy jest dokumentacja implementacji algorytmu opracowanego przez Ce Jin i Hongxun Wu w pracy [9]. Algorytm ten jest niedeterministyczny, jednak dla dużych danych prawdopodobieństwo błędu jest niewielkie. Złożoność czasowa prezentowanego algorytmu to $O((t+n)\log^2(t))$, zaś pamięciowa O(n+t).

1 Wstęp

Problem sprawdzenia czy z n-elementowego multizbioru S liczb naturalnych jesteśmy w stanie wybrać podzbiór, którego suma elementów jest równa zadanej liczbie t jest jednym z klasycznych problemów algorytmicznych. Będziemy go w dalszej części nazywać **problem sumy podzbioru**.

Ma on zastosowanie w licznych praktycznych zagadnieniach na przykład kryptografii [1], analizie finansowej [4], czy zagadnieniach kombinatorycznych, jako specyficzny wariant problemu plecakowego (Problem plecakowy dotyczy możliwości wybrania ze zbioru przedmiotów, z których każdy ma określoną wagę i wartość, podzbioru mającego maksymalną sumaryczną wartość i jednocześnie, którego sumaryczna waga nie przekracza pewnej liczby t. Problem sumy podzbiorów odpowiada sytuacji, gdy wartości przedmiotów są wprost proporcjonalne do ich wagi).

Klasyczna wersja problem, gdzie t jest duże (gdy nie dysponujemy O(t) pamięci) jest problemem NP-zupełnym [10]. Najprostszy algorytm rozwiązujący ten problem polega na rozważeniu po kolei wszystkich możliwych podzbiorów. Złożoność tego algorytmu to $O(n2^n)$. Nieco szybszym algorytmem jest algorytm Horowitza i Sahaniego [7] który działa w $O(2^{\frac{n}{2}}n/2)$, jednak w przeciwieństwie do algorytmu naiwnego wymagającego O(n) pamięci algorytm ten wymaga $O(2^{\frac{n}{2}})$. Algorytm Schroeppela i Shamira [11] wymaga takiego samego czasu jak algorytm Horowitza i Sahaniego, jednak potrzebuje $O(2^{\frac{n}{4}})$ pamięci. Probabilistyczny algorytm Howgrave-Grahama i Jouxa [8] pozwolił przyspieszyć rozwiązanie problemu do $O(2^{0.337n})$ zużywając $O(2^{0.256})$ pamięci. Dalsze jego ulepszenia pozwoliły osiągnąć złożoność czasową równą $O(2^{0.291n})$ [3].

Znacznie mniej czasu wymagają instancje problemu sumy podzbiorów gdzie t jest względnie małe i dysponujemy O(t) pamięci. Oparty o programowanie dynamiczne klasyczny algorytm wymaga O(nt) czasu i O(n+t) pamięci. Używam go do sprawdzenia poprawności implementacji algorytmu Ce Jin i Hongxun Wu. Najszybszym znanym algorytmem dla problemu sumy podzbiorów z małym t jest algorytm Konstantinos Koiliaris i Chao Xu [2].

Algorytm który prezentuję w niniejszej pracy został opracowany przez Ce Jin i Honguxun Wu. Działa on w czasie $O(n+t\log^2(t))$ i wymaga O(n+t) pamięci. Jest to algorytm probabilistyczny z prawdopodobieństwem błędu $O(\frac{1}{n+t})$. Moja implementacja składa się z 4 modułów: klasy field odpowiadającej symulacji działań w ciele \mathbb{Z}_p reszt z dzielenia przez liczbę pierwszą p, moduł losujący liczbę p korzystający z testu Millera-Rabina, moduł zawierający implementację teorio-liczbowej szybkiej transformaty Fouriera (jest to pewna nie ortodoksja względem pracy Ce Jin i Honguxun Wu, ponieważ proponowali oni szybką transformatę Fouriera, jednak początkowe próby jej implementacji powodowały problemy związane z niedokładnością operacji zmiennoprzecinkowych) oraz implementacja algorytmu właściwego.

Moja implementacja jest napisana w języku C++ i korzysta ze zmiennych całkowitych 128-bitowych więc kompilacja może nie powieść się na niektórych systemach i kompilatorach w szczególności na systemach 32-bitowych. Dokładne wymagania opisze w dalszej części pracy.

W niniejszej pracy zaprezentuję niedeterministyczny algorytm opracowany przez Ce Jin i Hongxun Wu, który korzystając ze sprytnych obserwacji na polu analizy matematycznej i algebry jest w stanie podać wynik w czasie $O(n+t\log^2(t))$, co jest czasem znacznie szybszym niż klasyczny algorytm oparty na programowanie dynamiczne.

2 Algorytm klasyczny

Specyfikacja problemu sumy podzbiorów, który będziemy rozwiązywać jest następująca:

Wejście: Liczba naturalna n, liczba naturalna t, zbiór S reprezentowany jako ciąg n liczb naturalnych (po wczytaniu przechowywanych w wektorze S).

Wyjście: true jeżeli istnieje $S' \subseteq S$ którego suma elementów jest równa t lub false w przeciwnym przypadku.

Lub alternatywnie

Wejście: Liczba naturalna n, liczba naturalna t, zbiór S reprezentowany jako ciąg n liczb naturalnych.

Wyjście: t+1-elementowy wektor ans wartości boolowskich taki, że dla każdego $i \in \{0,1,2,...,t\}$ ans[i]==true wtedy i tylko wtedy, gdy istnieje $S' \subseteq S$ którego suma elementów jest równa t.

Klasyczny algorytm opiera się na modyfikacji t+1-elementowej tablicy DP o komórkach przyjmujących wartości bool-owskie i opiera się na programowaniu dynamicznym. Początkowo wszystkie komórki DP są ustawione na false, oprócz komórki 0-owej, która jest ustawiona na true.

Dokładny algorytm przedstawia poniższy pseudokod (odpowiada on drugiej specyfikacji problemu sumy podzbiorów. Jeżeli chcielibyśmy odpowiedź na pierwszą jego wersję wystarczy zwrócić DP[t], przy czym można ją zwrócić wtedy od razu gdy przyjmie wartość true).

```
zainicjuj n-elementowe DP i oldDP
for i <-1,2,...,t+1
    oldDP[i] = false
end for
DPold[0] = true
for i<-0,1,...,n-1
    for j <- S[i],S[i]+1,...,t
        DP[j] = oldDP[j] or oldDP[j-S[i]]
    end for
    oldDP = DP
end for
return DP</pre>
```

Dowód poprawności tego algorytmu jest prostym dowodem indukcyjnym, w którym teza indukcyjna brzmi: po wykonaniu i-tej iteracji pętli z iteratorem i DP[m]==true wtedy i tylko wtedy gdy można wybrać podzbiór zbioru $\{S\left[0\right],S\left[1\right],...,S\left[i\right]\}$ taki, że suma jego elementów wynosi m (oczywiście dla $k\in\{0,1,...,t\}$).

- Dla i = 0 teza jest oczywista.
- Załóżmy, że teza jest prawdziwa dla 0, 1, 2, ..., i-1. Jeżeli istnieje podzbiór zbioru $\{S[0], S[1], ..., S[i]\}$ taki, że suma jego elementów wynosi k to jest to albo podzbiór zbioru $\{S[0], S[1], ..., S[i-1]\}$ i z tezy indukcyjnej DP[k]==true jeszcze przed wykonaniem i-tej iteracji albo jest to podzbiór zawierający element S[i], którego pozostałe elementy należące do $\{S[0], S[1], ..., S[i-1]\}$ sumują się do k-S[i], więc z tezy indukcyjnej DP[k-S[i]]==true. Ponieważ DP[k] po wykonaniu i-tej iteracji przyjmuje wartość DP[i] or DP[k-S[i]] teza indukcyjna jest prawdziwa.

Ponieważ komórki DP przyjmuja tylko wartości true i false do reprezentacji jej najoptymalniej użyć bitsetu a kolejne iteracje petli zewnetrznej wykonać poleceniem DP |= (DP » S[i]).

Petla zewnetrzna wykona się O(n) razy i każda iteracja zajmie O(t) czasu tak więc czas działania całego algorytmu zajmie O(nt) i O(t+n) pamięci.

Algorytm naiwny został zaimplementowany w pliku main.cpp jako funkcja brutalSum.

3 Idea algorytmu Ce Jin i Hongxun Wu

Algorytm Ce Jin i Hongxun Wu bazuje na dość prostej obserwacji, że dla danego zbioru $S = \{s_1, s_2, ..., s_n\} \subset$ \mathbb{N} istnieje jego podzbiór sumujący się do $t \in \mathbb{N}$ wtedy i tylko wtedy gdy, współczynnik przy x^t w wielomianie $A(x) := \prod_{i=1}^{n} (1+x^{s_i})$ jest niezerowy. Istotnie jeżeli ten współczynnik jest niezerowy, to istnieje ciąg indeksów $0 < i_1 < i_2 < \dots < i_k < n+1$ taki, że

$$\prod_{j=1}^{k} x^{s_{i_j}} = x^{\sum_{j=1}^{k} s_{i_j}} = x^t$$

Tak wiec ciag ten odpowiada indeksom elementów które należy wybrać by uzyskać podzbiór zbioru S o sumie elementów równej t. Zamiast liczyć ten współczynnik wprost najpierw obliczymy B(x) := $\ln(\prod_{i=1}^{n}(1+x^{s_i}))$, zaś następnie $\exp(B(x))=A(x)$.

Co to jednak znaczy, że obliczymy te funkcje? Będziemy wyliczać rozwinięcia jej w szereg Taylora. Współczynnik przy x^t w rozwinięciu w szereg Taylora $\exp(B(x))$ istotnie jest współczynnikiem przy x^t w A(x). Wynika to bezpośrednio z jednoznaczności rozwiniecia w szereg potegowy i tego, że A(x)iest wielomianem.

W dalszej części sekcji będę stosował schemat notacji $F_t(x)$ jako oznaczenie rozwinięcia w szereg

Taylora t-pierwszych wyrazów funkcji F, tak więc $\exp_t(x) = \sum_{i=0}^t \frac{x^i}{i!}$, zaś $\ln_t(1+x^a) = \sum_{i=0}^{\lfloor \frac{t}{a} \rfloor} \frac{(-1)^{i+1}x^{ai}}{i}$. Aby znaleźć odpowiedź na omawiany w tej pracy problem wystarczy oczywiście ustalić jedynie wartość t pierwszych wyrazów rozwinięcia w szereg Taylora funkcji $\exp(B(x))$.

Niestety obliczenia potrzebne do znalezienia tych współczynników moga wymagać użycia bardzo dużych liczb długości O(n). Obliczenia na nich mogą być więc czasochłonne.

Ce Jin i Hongxun Wu skorzystali z faktu, że pochodna nie jest jedynie obiektem, który można zdefiniować analitycznie jako przekształcenie funkcji f(x) w funkcję zwracającą dla argumentu x wartość $\lim_{h\to 0} \frac{f(x+h)-f(x)}{h}$, ale i przekształcenie czysto algebraiczne, które przekształca szereg $\sum_{i=0}^{\infty} f_i x^i$ w $\sum_{i=1}^{\infty} i f_i i x^{i-1}$.

Tak zdefiniowana pochodna zachowuje pewne algebraiczne właściwości(f' + g') = (f + g)', (fg)' = (f + g)', (fg)' = (f + g)', (fg)'f'g + g'f, (f(g))' = f'(g)g') bez względu na to do jakiego ciała należą współczynniki tych szeregów, tak więc również pojęcie szeregu Taylora (z pewnymi ograniczeniami) możemy rozpatrywać w innych ciałach niż \mathbb{R} . W naszym przypadku będzie to ciało \mathbb{Z}_p reszt z dzielenia przez p, gdzie p jest losową liczbą pierwszą na tyle dużą, że prawdopodobieństwo fałszywego zakwalifikowania jakiejś liczby jako 0 jest niewielkie, jednak na tyle małą, że obliczenia na elementach \mathbb{Z}_p wykonują się względnie szybko.

Ważną optymalizacją w liczeniu współczynników rozwinięcia $\exp(B(x))$ było zastąpienie jednej podwójnej pętli, której wykonanie w sposób naiwny zajmowałoby pesymistycznie $O(t^2)$ czasu pomnożeniem dwóch wielomianów stopnia co najwyżej O(t), co można wykonać szybką transformatą Fouriera w czasie $O(\log(t)t)$. Aby uniknąć problemów z utratą dokładności w obliczeniach na liczbach zmiennoprzecinkowych zastosowałem Teorio-liczbowa szybką transformatę Fouriera, w której współczynniki rozpatrywałem w ciele wylosowanej już na potrzeby wcześniej omawianych obliczeń liczby p.

Ogólnie implementacje algorytmu można podzielić na 5 zasadniczych cześci

- \bullet Implementacja funkcji losującą liczbę pierwszą p o pożądanych własnościach.
- Implementacja klasy odpowiadającej za wykonywanie obliczeń w ciele \mathbb{Z}_p .
- Implementacja Teorio-liczbowej szybkiej transformaty Fouriera w ciele \mathbb{Z}_n .
- Implementacja algorytmu właściwego.
- Implementacja kodu testującego, w tym algorytmu naiwnego.

4 Implementacja ciała \mathbb{Z}_p

Ogólny szablon, jakie metody należy zaimplementować był mocno inspirowany implementacją klasy dużych liczb całkowitych zamieszczony na stronie [https://www.geeksforgeeks.org/bigint-big-integers-in-c-with-example/]

Ponieważ znaczną część obliczeń mój program będzie wykonywać na elementach ciała \mathbb{Z}_p w którym istnieją działania arytmetyczne, aby uniknąć konieczności ciągłych operacji pobierania explicite wartości modulo p z wyników działań najwygodniejszym podejściem byłoby zaprogramowanie klasy field której instancje reprezentują elementy ciała \mathbb{Z}_p zaś przeciążone operatory odpowiadają działaniom w \mathbb{Z}_p i pisząc bardziej wysokopoziomowy kod nie musimy już się troszczyć o to, by jakkolwiek "normalizować" wyniki.

Klasa ma kilka pól statycznych. Jednym z nich jest liczba p typu __int128 będąca liczbą pierwszą modulo którą będziemy wykonywać nasze obliczenia. Liczba m typu __int128, która ma zastosowanie przy wykonywaniu działania mnożenia w sposób chroniący nas przed przepełnieniem zmiennej co zostanie omówione w dalszej cześci.

Liczbę p można zapisać jako $2^k r + 1$, gdzie r jest liczbą nieparzystą zaś k liczbą naturalną. W zmiennej statycznej typu __int128 i nazwie odd przechowujemy wartość owego r, zaś w statycznej zmiennej degreeOfDegree typu __int128 przechowujemy wartość owego k.

Dla każdej liczby pierwszej p istnieje pierwiastek pierwotny, czyli taka liczba, że x, że nie istnieje dodatnia liczba naturalna w mniejsza niż p-1 taka, że $x^w\equiv 1\pmod{p}$ (oczywiście z małego twierdzenia Fermata $r^{p-1}\equiv 1\pmod{p}$). W dalszej części pracy stopniem liczby/pierwiastka będę oznaczał najmniejszy wykładnik naturalny do którego należy ją podnieść, aby uzyskać 1 w ciele Z_p . Stopień pierwiastka pierwotnego wynosi oczywiście p-1. Bardzo często będziemy chcieli szybko wyliczyć liczbę mającą stopień będący potęgą 2 o wykładniku naturalnym k. Najprościej taką liczbę uzyskać jako rezultat potęgowania pierwiastka pierwotnego, najpierw do potęgi, której wykładnik jest równy wartości zmiennej statycznej odd, a następnie wykonaniu degreeOfDegree-k podniesień wyniku do kwadratu. Wygodnie byłoby nie musieć za każdym razem wykonywać potęgowania do potęgi odd, dlatego w zmiennej statycznej almostPrimitiveRoot typu __int128 przechowuję wartość będącą wynikiem podniesienia pierwiastka pierwotnego do potęgi odd.

Ostatnim polem statycznym klasy field jest struktura typu std::map<__int128 , __int128 > i nazwie inverse przechowująca odwrotności elementów ciała. Będzie ona dynamicznie powiększana w trakcie wykonania programu i służy ominięciu konieczności wykonywania dużej ilości powtórzeń kosztownej operacji liczenia odwrotności elementu.

Metoda setP ustawia wartość p na przyjętą jako argument wartość zmiennej x typu __int128. Ustawia ona również zmienną m na wartość $\lfloor \frac{2^{127}-1}{p} \rfloor$. Czyści tablicę inverse (wcześniej wyliczone odwrotności elementów po zmianie ciała przestają być dłużej odwrotnościami tych samych elementów). Wykonując poniższy kod znajduję wartość pól almostPrimitiveRoot (w zmiennej degree) oraz degreeOfDegree(w zmiennej y) i następnie przypisujemy je odpowiednim polom. odd

```
__int128 y = field::p - 1;
__int128 degree = 0;
while(y % 2 == 0){
    degree++;
    y /= 2;
}
```

Następnie szukamy wartości pola almost PrimitiveRoot. Przy założeniu prawdziwości hipotezy Riemanna pierwiastek pierwotny modulo p jest stosunkowo mały wielkości $O(\log^6(p))$ [5], tak więc kandydatów możemy szukać sprawdzając kolejne liczby naturalne zaczynając od 2. Tak naprawdę nie potrzebujemy wyznaczyć pierwiastka pierwotnego, ale jedynie liczbę jedynie liczbę r, że nie zachodzi $r^{2^{d-1}} \equiv 1 \pmod{p}$ gdzie d to wartość zmiennej degreeOfDegree. Sprawdzenie dla liczby r czy nie zachodzi $r^{2^{\frac{p-1}{2}}} \equiv 1 \pmod{p}$ jest mocniejszym warunkiem i dla uproszczenia kodu on zostaje sprawdzony. Następnie jeżeli wspomniany warunek zachodzi do zmiennej almost PrimitiveRoot zapisujemy r^{odd} .

W module zajmującym losowaniem liczb pierwszych istnieje miejsce w którym wykonujemy operacje modularne modulo liczb które nie muszą być pierwsze jednak nie wykonujemy modulo je dzielenia.

Wygodnie byłoby móc użyć metod klasy field. Aby uniknąć potencjalnych niespodziewanych zachowań programu np podczas wyznaczania wartości pola almostPrimitiveRoot podczas wywołania funkcji setP na argumencie niebędącym liczbą pierwszą utworzyłem funkcję setPstupid, która przyjmuje argument x typu __int128 i ustawia na niego wartość pola p, wartość pola m ustawia podobnie jak w funkcji setP na $\lfloor \frac{2^{127}-1}{p} \rfloor$, pozostałe pola statyczne zaś ustawia na 0 i czyści tablicę odwrotności.

Pole, które przechowuje wartość pojedynczego obiektu nazwałem value. Oczywiście pole to już nie może być statyczne. Stworzyłem kilka konstruktorów dla klasy field. Konstruktor domyślny nie przyjmuje żadnego argumentu i ustawia wartość value na 0. Konstruktor kopiujący ustawia wartość value na wartość value obiektu typu field podanego jako argument.

Ostatni konstruktor przyjmuje liczbę całkowitą val typu __int128. Żeby uniknąć nietypowych zachowań programu chcemy, żeby wartości value dla każdego obiektu klasy field były mniejsze niż p i większe niż 0. Jeżeli więc wartość val jest większa lub równa 0 polu value przypisuję jej resztę z dzielenia przez p. Jeżeli jest zaś jest ujemna przypisuję mu wynik działania ((val%p)+p)%p.

Przejdę teraz do omówienia kolejnych funkcji i przeciążonych operatorów w omawianej klasie.

Utworzyłem kilka get-terów, żeby w sposób bardziej kontrolowany odwoływać się do niepublicznych pól. getP, getM, getAlmostPrimitiveRoot, getOdd, getDegreeOfDegree służą odpowiednio do pobrania wartości pól p. m i almostPrimitiveRoot.

Metody friend field inline & operator++(), friend field inline operator++(int temp), friend field inline & operator-(), friend field inline & operator++(int temp) to odpowiednio przeciążenia operatora postinkrementacji, preinkrementacji, postdekrementacji i predekrementacji. Operator postinkrementacji korzystając z niezmiennika, mówiącego, że wartość pola value jest zawsze liczbą całkowitą z przedziału [0,1,..,p-1] który zachowują wszystkie funkcje oraz konstruktory modyfikujące pole value może przypisać polu value po prostu wartość wyrażenia (value+1)%field::p. Jeżeli value=0 naiwna postdekrementacja powoduje uzyskanie wyniku ujemnego dlatego polu value w przypadku postdekrementacji zamiast (value+1)%field::p przypisujemy (field::p+value-1)%field::p. Dla operatora preinkrementacji najpierw tworzymy zmienną aux w której przechowujemy starą wartość obiektu, którą później zwrócimy, a następnie na oryginalnym obiekcie dokonujemy zdefiniowaną wcześniej postinkrementację. Operator predekrementacji definiujemy analogicznie jak preinkrementacji.

Następnie definiuję przeciążenia operatorów friend inline field &operator+=, friend inline field &operator+, friend inline field &operator--, friend inline field &operator-. Operator += przyjmuje przez referencję dwa argumenty typu field, gdzie pierwszy oznaczam jako a, zaś drugi jako b. Wartości pola value przypisujemy wartość (a.value + b.value) %field::p gdzie operator % służy zachowaniu niezmiennika, by wartości pola value były mniejsze niż p. Z kolei dla operatora -= wartości analogicznego pola przypisujemy wartość wyrażenia (a.value-b.value+field::p)%field::p gdzie nieobecne w poprzednim przypadku dodanie p służy niedopuszczeniu do sytuacji gdy value stanie się ujemne jeśli b.value>a.value. W implementacji operatora + tworzymy tymczasowy obiekt temp klasy field o wartości początkowej pola value równej a.value, a następnie przy pomocy zdefiniowanego wcześniej operatora += dodajemy do tego obiektu obiekt b. Analogicznie definiujemy operator

Kolejnymi nieco prostszymi operatorami jakie zdefiniowałem to operatory porównujące friend inline bool operator==, friend inline bool operator!=, friend inline bool operator<, friend inline bool operator>= które dla argumentów a i b zwracają wartości boolowskie odpowiednio wyrażeń a.value == b.value, a.value != b.value, a.value <= b.value, a.value >= b.value.

Nieco bardziej skomplikowana jest implementacja operatora friend field & operator*=. Ponieważ liczba p mnożę być rzędu $O(t(n+t)^3)$ gdybyśmy postąpili naiwnie i (przyjmując oznaczenie pierwszego argumentu jako a, drugiego jako b) przypisali polu value wyniku wartość wyrażenia (a.value*b.value)%field::p oznaczałoby to pobranie reszty z dzielenia przez p z wartości wyrażenia a.value*b.value, która byłaby rzędu $O(t^2(n+t)^6)$, co już dla t rzędu 10^5 mogłoby powodować wychodzenie poza zakres nawet zmiennej typu __int128. Oczywiście tak mały zakres liczb mocno wpłynąłby na użyteczność zaimplementowanych funkcji. Definiuję więc zmienną m, będącą górną wartością b, dla którego możemy wykonać mnożenie w sposób naiwny (i następnie wyciągnąć tylko resztę z dzielenia przez p) bez obaw o przepełnienie. W przeciwnym wypadku tworzę zmienną pomocniczą A będącą wartością pola value obiektu a oraz zmienną B będącą wartością pola value obiektu b.

Na potrzeby dalszej części pracy definiuję operator matematyczny % który dla lewego argumentu będącego liczbą naturalną A i prawego będącego liczbą naturalną dodatnią B zwraca resztę z dzielenia A przez B. Jest więc bardzo podobny do operatora % w składni C++.

Zauważmy, że $A \cdot B = A \cdot \lfloor \frac{B}{m} \rfloor + A \cdot (B\%m)$. Wartość m jest zależna od p i dlatego ustawiamy ją podczas operacji setP o czym pisałem w jednym poprzednich akapitów. Inicjalizuję obiekt ans1 klasy field o wartości pola value równej A. Następnie mnożę go rekurencyjnie przy pomocy operatora *= przez field(field::m), a następnie przez field(B/field::m). Inicjalizuję też obiekt ans2 o początkowej wartości pola value równej A i mnożę rekurencyjnie przy pomocy operatora *= przez field(B%field::m). Po tych operacjach wartość pola value obiektu ans1 wynosi $A \cdot \lfloor \frac{B}{m} \rfloor$, zaś obiektu ans2 $A \cdot (B\%m)$. Do a zapisujemy więc ans1+ans2 i zwracamy a.

Kolejnym operatorem jest operator friend field operator*. Argumenty, które otrzymuje to obiekty typu field o nazwach a i b. Tworzę tymczasowy obiekt typu field i nazwie temp o tej samej wartości pola value co a i następnie mnożę go przez b przy pomocy zdefiniowanego wcześniej operatora *= i zwracam tak zmodyfikowany obiekt temp.

Kolejnym operatorem jest operator potęgowania friend field inline &operator^=. Pierwszym argumentem jaki przyjmuje jest obiekt typu field o nazwie a oraz zmienna typu __int128 o nazwie b. Zauważmy, że z małego twierdzenia Fermata (jeżeli p nie dzieli a, jeżeli jednak dzieli również własność zachodzi, czego dowód jest trywialny) $a^{k(p-1)+l} \equiv (a^{p-1})^k a^l \equiv 1^k a^l \equiv a^l \pmod{p}$ dla dowolnych naturalnych a, k, l, tak więc zamiast podnosić a do potęgi b możemy podnieść ją do potęgi b%(p-1). Teoretycznie moglibyśmy rozpatrywać ((b%(p-1))+p-1) % (p - 1), jednak z pewnych powodów, o których napiszę w dalszej części pracy zdecydowałem się rozpatrzyć przypadki b ujemnego i dodatniego osobno.

Należy również pamiętać, że po zaimplementowaniu funkcji setPstupid nasza klasa może symulować niektóre działania modulo p dla p nie będącego liczbą pierwszą. Oczywiście wtedy małe twierdzenie Fermata przestaje pozwalać na ową redukcję b do reszty z dzielenia przez p-1, tak więc przypadek ten skorygowałem prostym if-em, sprawdzającym czy wartość pola odd jest równa 0, co może się zdarzyć tylko wtedy gdy klasa jest inicjalizowana funkcją setPstupid.

Jeżeli b==0, przypisuję a wartość 1 i zwracam wynik. Jeżeli b==1 nie robię nic, tylko od razu zwracam a. Jeżeli b==-1 to jeżeli a.value==0 wyrzucam błąd dzielenia przez 0, jeżeli zaś nie wykonuję następującą procedurę. Ponieważ potęgowanie do -1 to znalezienie odwrotności a w \mathbb{Z}_p z małego twierdzenia Fermata oznacza to podniesienie a do potęgi p-2. Potęgowanie można zaimplementować, by wykonywało się w czasie logarytmicznym względem stopnia, jednak mnożenie ze względu na groźbę przepełnienia też może w pesymistycznym przypadku zabierać logarytmicznie dużo czasu. Znalezienie odwrotności obiektu jest dość podstawową operacją, którą możemy chcieć wykonywać bardzo często, tak więc czas $O(\log^2(p))$ może nie być zadowalający. Dlatego klasa field posiada jeszcze jedno pole, którym jest statyczna mapa o nazwie inverse z wejściami typu <__int128,__int128>, która przypisuje liczbie x liczbę która jest wartością odwrotną w ciele \mathbb{Z}_p . Mapę tą czyścimy, za każdym razem gdy zmieniamy wartość p. Istotnie wtedy odwrotności tych samych liczb mogą stać się inne, bo zmienia się ciało w którym są tymi odwrotnościami. Operacja insertInverse przyjmuje zmienne typu field, które zakładamy explicite, że są elementami wzajemnie odwrotnymi i oznaczamy je jako a oraz b, a następnie, jako, że $(a^{-1})^{-1} = a$ wykonujemy od razu 2 przypisania

```
field::inverse[a.value] = b.value;
field::inverse[b.value] = a.value;
```

Gdy mamy wyliczyć potęgę o wykładniku -1 jakiegoś elementu a typu field sprawdzam najpierw czy w mapie odwrotności jest przypisana wartość dla klucza a.value, a następnie jeżeli kluczowi temu przypisana jest wartość ustawiamy a.value na nią i zwracamy a, zaś w przeciwnym przypadku wykonujemy operację field::insertInverse(a, $A^=((long long)(field::p-2)))$, gdzie A to kopia obiektu a. (rekurencyjnie wywołujemy operator = dla wartości nieujemnej) i ponownie pobieramy wartość dla klucza a.value. Pozwala nam to dla każdego elementu \mathbb{Z}_p wyliczyć jego odwrotność co najwyżej raz, bez względu na ilość wywołań tego wyliczenia w wyżej poziomowym kodzie.

Kolejnym przypadkiem, który należy rozważyć to gdy b>1. Wykonuję wtedy iteracyjną wersję szybkiego potęgowania. Tworzę pomocniczy obiekt multiplier będący kopią a oraz obiekt ans o wartości pola value równej 1. Następnie wykonuję pętlę

```
while(b != 0){
   if(b % 2 == 1)ans *= multiplier;
   multiplier *= multiplier;
   b /=2;
}
```

i następnie kopiuję wartość ans do obiektu a oraz zwracam a.

Kolejnym i już ostatnim przypadkiem jest gdy b < -1. W tym przypadku wykorzystujemy fakt, że $a^b = (a^{-1})^{-b}$. Tak więc kolejno wykonujemy zdefiniowane wcześniej podniesienie a do potęgi -1 przy pomocy operatora $^{\wedge}$ = a następnie znów przy pomocy tego samego operatora podnosimy a do potęgi -b>1, co też zostało już wcześniej zdefiniowane. Po wykonaniu tych obliczeń zwracam a.

Kolejnym operatorem jest ^. Pobiera on argument a typu field i b typu __int128, tworzy przy pomocy konstruktora kopiującego tymczasowy obiekt temp typu field z taką samą wartością pola value co a, następnie przy pomocy operatora ^= podnosi temp do potęgi B i zwraca tak zmodyfikowaną wartość temp.

Kolejnym operatorem będzie operator dzielenia /= przyjmujący dwa argumenty typu field oznaczone odpowiednio jako a i b. Dzielenie w ciele modulo nie oznacza "klasycznego" dzielenia arytmetycznego, ale pomnożenie przez element odwrotny. Tak więc tworzymy nowy obiekt B będący kopią b i mnożymy a przy pomocy operatora *= przez B^(longlong)(-1). Następnie zwracamy tak zmodyfikowane a.

Kolejnym operatorem jest /. Otrzymuje on dwa argumenty typu filed o nazwach a i b. Tworzę obiekt temp typu field i przypisuję mu wartość a, następnie dzielę przez b przy pomocy operatora \= i zwracam temp.

Kolejnymi operatorami są operatory strumieniowe

```
std::istream &operator» (std::istream &in,field&a) i
std::ostream &operator«(std::ostream &out,const field &a).
```

Wypisanie/wczytanie elementu będzie polegać na wypisaniu/wczytaniu wartości jego pola value. Jednak kompilator g++ nie ma zdefiniowanych operatorów strumieniowych dla zmiennych typu __int128. Dlatego będę w przypadku operatora » najpierw wczytywał zapis żądanej wartości pola value do zmiennej typu std::string, a następnie przy pomocy funkcji fromString przekształcał ją do zmiennej typu __int128 i zwracał podany jako argument strumień in. Z kolei w przypadku operatora « będę konwertował zmienną typu __int128 do zmiennej typu std::string i dopiero po konwersji wypisywał na podany jako argument strumień out i zwracał ten strumień.

Funkcja fromString używa funkcji charToDigit, która przyjmując znak x typu char będący zapisem jakiejś cyfry w języku "ludzkim" zwraca liczbę typu __int128 mającą wartość tej cyfry. Funkcja fromString przyjmuje zmienną x typu std::string jako argument a następnie przechodząc w pętli od tyłu po znakach tego słowa dodaje do zmiennej wynikowej ans kolejne potęgi 10 o wykładniku naturalnym pomnożone przez wartość wyniku funkcji charToDigit na rozpatrywanym znaku. Jeżeli zaś napotka na znak - mnoży ans przez -1.

Funkcja toString korzysta z funkcji toStringOneNumber, która przyjmuje liczbę typu __int128 i zwraca zapis jej reszty z dzielenia przez 10 w formie zmiennej typu string. Funkcja toString przyjmuje wartość x typu __int128 Jeżeli x==0 zwraca "0". Jeżeli x jest ujemne zapamiętuje to w zmiennej minus typu bool i następnie mnoży w miejscu x przez -1. Funkcja inicjalizuję zmienną wynikową ans na słowo puste, a następnie wykonuje pętlę

```
\begin{array}{ll} \text{while}\,(\texttt{x} \mathrel{!=} 0) \{ \\ & \text{ans} = \text{toStringOneNumber}\,(\texttt{x}) + \text{ans}\,; \\ & \text{x}/{=}10; \\ \} \end{array}
```

W przypadku gdy zmienna minus została ustawiona na true dodaję z przodu wyniku słowo "-". Po wykonaniu omówionych operacji zwracam wynik.

Omówiony w powyższej sekcji kod został napisany w języku C++ i znajduje się w pliku field.h w dołączonym do pracy repozytorium.

5 Szukanie liczby pierwszej

W pracy Jin i Wu liczba pierwsza którą losujemy ma tylko jedno zastosowanie. Jest nim wyznaczenie ciała w którym będziemy wykonywać nasze obliczenia. Losowanie jej odbywa się spośród liczb na przedziale $[t+1,(n+t)^3]$.

Definicja: $\pi(x)$ jest funkcją $\mathbb{N} \to \mathbb{N}$ przypisująca argumentowi x liczbę liczb pierwszych nie większych niż x.

Twierdzeniem o liczbach pierwszych mówi, że: [ŹROOOOOOOOOOOODŁOOOOOOOOOOOO]

$$\lim_{x \to \infty} \frac{\pi(x)}{\frac{x}{\ln(x)}} = 1$$

Tak więc liczb pierwszych na przedziale $[t+1,(n+t)^3]$ jest $\Omega((n+t)^2)$. Celem naszego algorytmu jest sprawdzenie czy dla danego multizbioru $\{x_1,x_2,...,x_n\} \equiv \mathbb{N}$ i liczby t współczynnik przy x^t w wielomianie $\prod_{i=1}^t (1+x^{s_i})$ jest dodatni. Ponieważ obliczenia wykonujemy w ciele \mathbb{Z}_p jeżeli ów współczynnik byłby podzielny przez p fałszywie uznalibyśmy go za zerowy. Jednak współczynnik ten będzie nie większy od 2^n , tak więc ma najwyżej O(n) dzielników pierwszych, więc prawdopodobieństwo, że wylosowana liczba dzieli ten współczynnik jest $O(\frac{1}{n+t})$

Różnica, między moją implementacją, a algorytmem opisanym przez Ce Jin i Hongxun Wu jest jednak taka, że nie używałem klasycznej wersji szybkiej transformaty Fouriera, opartej na liczbach zespolonych, a teorio-liczbowej szybkiej transformaty Fouriera wykonującej obliczenia w ciele \mathbb{Z}_p . W tym ciele musi istnieć pierwiastek z 1 stopnia r gdzie r jest postaci 2^k dla pewnej liczby naturalnej k, oraz r jest większe niż stopnień wielomianu, który powstanie po pomnożeniu wielomianów, do których mnożenia używamy naszą transformatę. Mnożone wielomiany są stopnia co najwyżej t, tak więc możemy przyjąć, że 2^k to najmniejsza potęga 2 o całkowitym wykładniku większa niż 2t. zaś p ma postać $r2^k+1$.

Twierdzenie: Jeżeli w ciele \mathbb{Z}_p istnieje pierwiastek stopnia 2^k z 1 to p ma postać $r2^k+1$, gdzie r jest liczbą naturalną.

Istotnie dla każdej liczby pierwszej p istnieje jej pierwiastek pierwotny a, którego stopień jest równy p-1, czyli w tym przypadku $r2^k$, zaś stopień a^r jest równy 2^k .

Intuicyjnie można przypuszczać, że ponieważ rozmieszczenie liczb pierwszych jest trudne do opisania prostym wzorem, to podobny procent liczb postaci $r2^k+1$ gdzie r jest liczbą naturalną z przedziału $[t+1,(n+t)^3]$ jest pierwszy, co po prostu, procent liczb pierwszych na przedziałe $[t+1,(n+t)^3]$.

Definicja: $\pi'(x,t)$ to funkcja $(\mathbb{N} \times \mathbb{N}) \to \mathbb{N}$, która dla argumentów x i t zwraca liczbę liczb pierwszych postaci $r2^k+1$, gdzie 2^k to najmniejsza potęga 2 o wykładniku naturalnym większa niż 2t, zaś r jest liczbą naturalną mniejszą lub równą x.

Losowanie liczby pierwszej p o żądanych właściwościach będzie polegać najpierw na wylosowaniu liczby naturalnej r z przedziału $[t+1,(n+t)^3]$, a następnie wyliczeniu liczby $k2^r+1$, gdzie 2^k to najmniejsza potęga 2 o wykładniku naturalnym większa niż 2t i sprawdzeniu, czy tak wyliczona liczba jest pierwsza.

Dla danych t i n tym sposobem możemy wylosować $\pi'((n+t)^3,x)-\pi'(t+1,x)$ różnych liczb pierwszych. Jeżeli więc $\pi'((n+t)^3,x)-\pi'(t+1,x)$ jest co najmniej $\Omega((n+t)^2)$ to zachodzi szacowanie prawdopodobieństwa błędu analogiczne do szacowania Jin i Wu. Wyliczenie dokładnej wartości $\pi'((n+t)^3,x)-\pi'(t+1,x)$ dla dużych n i t jest trudne dlatego oszacowałem je poprzez losowanie 1000000 liczb z przedziału $[1+t,(n+t)^3]$, pomnożeniu przez 2^k , gdzie 2^k to najmniejsza potęga 2 o wykładniku naturalnym większa niż 2t i dodaniu 1, oraz zliczeniu w zmiennej ans ile tak wylosowanych liczb jest pierwsze. $\frac{a}{1000000}((n+t)^3-(1+t)+1)\approx \pi'(n,t)$, gdzie a to wartość zmiennej ans na końcu wykonania mojej symulacji.

Poniższa heat-mapa ukazuje tak przybliżoną w ten sposób wartość $\log_2(\frac{\pi'(n,t)}{(n+t)^2})$, w zależności od $\log_2(n)$ i $\log_2(t)$. Jak widać zdecydowanie liczba liczb pierwszych możliwych do uzyskania w omówiony sposób jest $\Omega((n+t)^2)$.

W przeciwieństwie do większości pozostałego kodu, który przygotowałem, ze względu na jednoczesne łatwe wykonywanie wykresów, oraz szybkość działania eksperymentalne weryfikowanie tej hipotezy przeprowadziłem w języku Julia. Kod użyty do testowania znajduje się w pliku PrimesExperiment.jl.

Omówię teraz już samą implementację modułu szukającego liczby pierwszej. Wszystkie wymienione niżej funkcje zostały zaimplementowane w języku C++ i znajdują się w pliku FindPrimes.cpp.

Moduł losujący składa się z kilku funkcji, z których zdecydowanie najprostszą jest pow2, która dla przyjmowanej jako argument liczby t zwraca najmniejszą potęgę 2 z wykładnikiem naturalnym, która jest większa niż 2t. Polega ona na mnożeniu przez 2 zmiennej ans której początkowa wartość jest równa 1 dopóki nie będzie większa niż 2*t. Musimy wykonać co najwyżej 126 mnożeń, co jest na tyle szybkie, że nie ma potrzeby stosowania bardziej zaawansowanych algorytmów jak na przykład używających algorytmu szybkiego potęgowania.

Funkcja randomLongLong służy losowaniu liczby dodatniej 64-bitowej nie większej niż podana jako argument liczba mod. Należąca do standardu C++ funkcja rand zwraca liczby 32-bitowe, co może nie być dla nas wystarczające. Jeżeli mod mieści się w zakresie zmiennej typu int zwracam po prostu resztę z dzielenia przez mod wartości bezwzględnej wyniku wywołania rand(). Jeżeli zaś jest większe niż $2^{31}-1$ 31 ostatnich bitów wyniku zapisujemy w zmiennej candidate jako resztę z dzielenia przez 2^{30} wartości bezwzględnej wyniku wywołania funkcji rand(), a następnie losuję bity wiodące jako wynik operacji std::abs(((long long)std::rand())%((long long)mod/(long long)1073741824)) i zapisuję je w zmiennej candidate2. Może się zdażyć, że niektóre liczby mniejsze niż mod będą nieosiągalne, jednak jest z pewnością mniej niż $\frac{mod}{2}$, więc nie będzie to wpływać na asymptotyczną złożoność prawdopodobieństwa błędu.

Funkcja random
128 służy do losowania dodatniej liczby typu __int
128 z przedziału [0,1,...,mod], gdzie mod to liczba typu __int
128 podana jako argument. Polega na losowaniu kolejnych bajtów zmiennej ans typu __int
128, a następnie zwróceniu wartości bezwzględnej jej reszty z dzielenia przez mod.

Sprawdzenie czy wylosowana liczba jest pierwsza wykonuję przy pomocy testu Millera-Rabina.

Jego idea jest następująca: każdą liczbę pierwszą p większą niż 2 da się jednoznacznie zapisać w postaci $d2^s+1$ gdzie d jest nieparzyste, zaś s naturalne. Dla dowolnej liczby $a\in\{2,3,...,p-1\}$ z małego twierdzenia Fermata p dzieli

$$a^{p-1} - 1 = a^{d2^s} - 1 = (a^d)^{2^s} - 1 = ((a^d)^{2^{s-1}} + 1)((a^d)^{2^{s-1}} - 1) =$$

$$((a^d)^{2^0} - 1)((a^d)^{2^0} + 1)((a^d)^{2^1} + 1)((a^d)^{2^2} + 1)...((a^d)^{2^{s-1}} + 1)$$

Tak więc z wyboru a wiemy, że któraś z liczb $(a^d)^{2^0} + 1$, $(a^d)^{2^1} + 1$,..., $(a^d)^{2^{s-1}} + 1$ jest podzielna przez p, czyli dla pewnego $i \in \{0, 1, 2, ..., s-1\}$ zachodzi

$$(a^d)^{2^i} + 1 \equiv 0 \pmod{p}$$

czyli równoważnie

$$(a^d)^{2^i} \equiv n - 1 \pmod{p}$$

Test Millera-Rabina opiera się na następującej obserwacji:

Obserwacja 1: Dla większej niż 2 liczby $n=2^sd+1$, gdzie s jest naturalne, zaś d naturalne nieparzyste i liczby $a\in\{2,3,...,n-1\}$ jeżeli istnieje liczba $i\in\{0,1,2,...,s-1\}$ taka, że $(a^d)^{2^i}\equiv n-1\pmod{p}$ to n prawdopodobnie jest pierwsza. Jeżeli takie i nie istnieje n liczbą pierwszą na pewno nie jest.

Prawdopodobieństwo błędu można minimalizować wybierając kilka liczba.

Fakt 1: Jeżeli hipoteza Riemanna jest prawdziwa wystarczające okazuje się sprawdzenie sprawdzenie a z mniejsze lub równe $\min(n-2, 2\ln^2(n))$ [5].

Moja implementacja testu Millera Rabina składa z dwóch funkcji.

Pierwsza z nich to MillerRabinOne mająca za zadanie sprawdzić warunek z **Obserwacji 1** dla określonych n i a zwracając false gdy wiemy, że liczba nie jest pierwsza. Na początku rozważam przypadki gdy n i a nie spełniają początkowych założeń dla których **Hipoteza 1** była formułowana przy pomocy następujących zapytań warunkowych:

```
if(n == 2) return true;
if(n < 2) return false;
if(n % 2==0) return false;
if(a % n == 1) return true;
if(a > n) return true;
```

Jeżeli warunki początkowe są spełnione przy pomocy funkcji field::setPstupid ustawiam wartości pól statycznych klasy field tak, żeby symulowała ona obliczenia w pierścieniu \mathbb{Z}_n . Oczywiście nie wszystkie działania zdefiniowane w klasie field działają w pierścieniu \mathbb{Z}_n (na przykład dzielenie). Jednak możemy to zignorować po prostu ograniczając się do działań dodawania, odejmowania, mnożenia i potegowania z wykładnikiem naturalnym.

Wyznaczam d i s zgodnie z oznaczeniami z **Hipotezy 1**.

Następnie tworzę obiekt x klasy field z wartością pola value równą a. Podnoszę x do potęgi d przy pomocy operatora ^= zdefiniowanego w module definiującym klasę field. Następnie s-krotnie podnoszę w miejscu x do kwadratu przed każdym kolejnym podniesieniem sprawdzając, czy x==n-1 co oznaczałoby, że liczba n jest "raczej pierwsza" i zwracamy wtedy true lub x==1 co oznaczałoby, że x po kolejnych podniesieniach do kwadratu będzie wciąż równe 1, więc n nie jest pierwsza i zwracamy false. Jeżeli żaden z tych warunków nigdy nie zaszedł po s podniesieniach do kwadratu zwracamy false.

Kolejną funkcją jest MillerRabin, która przyjmuje liczbę n typu __int128 i wywołuje funkcję MillerRabinOne z n jako pierwszym argumentem oraz drugim będącym kolejnymi liczbami ze zbioru $\{2,3,...,\min(n-2,2\ln^2(n))\}$ i jeżeli, któreś z tych wywołań zwróci false funkcja MillerRabin również zwraca false. Jeżeli jednak tak nie będzie to na podstawie **Faktu 1** zwracamy true oznaczające, że n z bardzo małym prawdopodobieństwem błędu jest pierwsza.

Kolejną już ostatnią funkcją w tym module jest funkcja find_prime. Przyjmuje ona jako argumenty liczbę n i t, zaś następnie zwraca liczbę pierwszą postaci $r2^k+1$, gdzie r jest liczbą naturalną z przedziału $[t+1,(n+t)^3]$. Najpierw przy pomocy wywołania srand((unsigned int)time(NULL)) zwiększam losowość testu. Następnie przy pomocy funkcji pow2 wyznaczam 2^k . Następnie losuję potencjalne liczby candidate przy pomocy wywołania funkcji random128 na $(n+t)^3$. Jeżeli wylosuję liczbę nie większą niż t losuję jeszcze raz. Dla dużych n i n prawdopodobieństwo tego jest znikome, a ewentualny koszt niewielki. Następnie mnożę wylosowane r z wyznaczonym 2^k i dodaję do wyniku 1. Kolejnym krokiem jest dla tak uzyskanej liczby sprawdzenie, czy jest pierwsza przy pomocy funkcji MillerRabin.

Omówione w tej sekcji funkcje znajdują się w pliku find_prime.cpp i są napisane w języku C++.

6 Teorio-liczbowa szybka transformata Fouriera

Dyskretna transformata Fouriera [12] służy przyspieszeniu mnożenia wielomianów. Wielomiany możemy reprezentować jako ciąg współczynników lub jako ciąg wartości w ustalonych punktach, których liczba przekracza stopień reprezentowanego wielomianu. Pierwsza reprezentacja jest wygodna do wyliczania wartości w dowolnym punkcie z dziedziny, jednak mnożenie wielomianów w takiej postaci jest czasochłonne i ma czas kwadratowy od długości wielomianów. Druga reprezentacja pozwala na mnożenie wielomianów w czasie liniowym, jednak wyliczanie ich wartości w innych punktach jest trudne. Dyskretna transformata Fouriera służy do przechodzenia między tymi postaciami w relatywnie szybkim czasie $O(\log(n)n)$, gdzie n to stopień tych wielomianów.

Wybór punktów opiera się na prostej obserwacji, że jeżeli $A(x) = a_0 x^0 + a_1 x^1 + ... + a_{2n-1} x^{2n-1}$ (jeżeli stopień A ma stopień parzysty przyjmujemy po prostu, że a_{2n-1} jest równe 0). jest równe sumie $A_0(x^2)$ gdzie $A_0(t)$ jest równe $\sum_{i=0}^{n-1} a_{2i} t^i$, oraz $A_1(x^2)x$, gdzie $A_1(t)$ jest równe $\sum_{i=0}^{n-1} a_{2n+1} t^i$. Tak więc jeżeli dwie liczby a i b mają te same wartości swoich kwadratów możemy obliczyć tylko raz wartości $A_1(a^2) = A_1(a^2)$ i $A_0(a^2) = A_0(b^2)$, a następnie w czasie stałym połączyć te wyniki, tak aby uzyskać wartości wielomianu A w punktach a i b.

Klasyczna wersja dyskretnej transformaty Fouriera oblicza wartości wielomianu A dla argumentów z ciała liczb zespolonych. Przyjmujemy następujące oznaczenie $A(x) = \sum_{i=0}^{\infty} a_i x^i$, przy czym istnieje I takie, że $\forall i > I: a_i = 0$. I oznaczając dalej $A_0(x) = a_0 x^0 + a_2 x^1 + ... + a_{2^m-2} x^{2^{m-1}-1}$ oraz $A_1(x) = a_1 x^1 + a_3 x^1 + ... + a_{2^m-1} x^{2^{m-1}-1}$, przy czym 2^m jest najmniejszą potęgą 2 o wykładniku naturalnym, większym niż stopień wielomianu będącego wynikiem optymalizowanego przez nas mnożenia.

Będę oznaczał ω_m jako $e^{\frac{i2\pi}{2^m}}$. Zaważmy, że :

$$\begin{cases} A(\omega_m^1) & = A_0(\omega_m^2) + A_1(\omega_m^2)\omega_m^1 = A_0(\omega_{m-1}^1) + A_1(\omega_{m-1}^1)\omega_m^1 \\ A(\omega_m^2) & = A_0(\omega_m^4) + A_1(\omega_m^4)\omega_m^2 = A_0(\omega_{m-1}^2) + A_1(\omega_{m-1}^2)\omega_m^2 \\ A(\omega_m^3) & = A_0(\omega_m^6) + A_1(\omega_m^6)\omega_m^3 = A_0(\omega_{m-1}^3) + A_1(\omega_{m-1}^3)\omega_m^3 \\ & \cdots \\ A(\omega_m^{2^m}) & = A_0(\omega_m^{2^{m+1}}) + A_1(\omega_m^{2^{m+1}})\omega_m^{2^m} = A_0(\omega_{m-1}^2) + A_1(\omega_{m-1}^{2^m})\omega_m^{2^m} \end{cases}$$

Tak więc gdy mamy wektory $V_0 = \left(A_0(\omega_{m-1}^0), A_0(\omega_{m-1}^1), ..., A_0(\omega_{m-1}^{2^{m-1}-1})\right)$ oraz $V_1 = \left(A_1(\omega_{m-1}^0), A_1(\omega_{m-1}^1), ..., A_1(\omega_{m-1}^{2^{m-1}-1})\right)$ możemy w czasie liniowym od ich długości wyliczyć

 $V_1 = \left(A_1(\omega_{m-1}^0), A_1(\omega_{m-1}^1), ..., A_1(\omega_{m-1}^{2^{m-1}})\right)$ możemy w czasie liniowym od ich długości wyliczyć wektor $V = \left(A(\omega_m^0), A(\omega_m^1), ..., A(\omega_m^{2^{m-1}})\right)$, jednak wyliczenie wektorów V_1 i V_2 można znów rozbić na wyliczenie najpierw 2 wektorów długości 2^{m-2} i następnie połączenie tych dwóch wektorów w czasie liniowym od ich długości. Możemy tak rozbijać kolejne wektory aż dojdziemy do wektorów długości 1 które przechowują wartości pewnych wielomianów 0-stopnia będących po prostu jednym ze współczynników A.

Niech O(t) będzie czasem policzenia wartości wielomianu A w $n=2^m$ punktach przy pomocy dyskretnej transformaty Fouriera. Fouriera. Wiemy, że $O(t)=2O(\frac{t}{2})+O(n)$. Rozwiązaniem takiego równania jest $O(t)=O(n\log(n))$. Okazuje się, że po wyliczeniu wartości wielomianu AB w omawianych punktach możemy "wyciągnąć" z tych wartości w czasie $O(n\log(n))$ wartości współczynników wielomianu AB, gdzie n to ilość tych punktów, tak więc cały algorytm mnożenia odbywa się w czasie $O(\log(n)n)$.

Moja implementacja korzysta z dwóch klasycznych ulepszeń dyskretnej transformaty Fouriera.

Pierwsza to tak zwana "Teorio-liczbowa transformata Fouriera" [6]. Polega ona na nie wykonywaniu obliczeń w ciele \mathbb{C} lecz w \mathbb{Z}_p , przy czym oczywiście musi w ciele tym istnieć pierwiastek z 1 stopnia 2^m , gdzie 2^m jest potęgą 2 o wykładniku naturalnym i większym niż stopień zwracanego wielomianu. Tak naprawdę oznacza to po prostu, że p ma postać $r2^m + 1$, gdzie r jest liczbą naturalną, o czym pisałem w poprzedniej sekcji.

Jako A[i:j] będę oznaczał komórki tablicy ze współczynnikami wielomianu A o indeksach większych lub równych niż i oraz mniejszych lub równych j.

Drugim ulepszeniem jest użycie iteracyjnej szybkiej transformaty Fouriera [13]. Opiera się ona na obserwacji że rekurencyjna wersja dyskretnej transformaty Furiera polega najpierw na podzieleniu współczynników wielomianu na coraz mniejsze grupy, aż do zawierających tylko pojedynczy współczynnik, a następnie łączeniu pojedynczych współczynników w pary zawierające informację o 2 współczynnikach, potem czwórki, ósemki itd aż do połączenia ich w jeden duży blok zawierający informacje o wszystkich współczynnikach, a rekurencyjne wywołania służą jedynie pogrupowaniu w jakiej kolejności będziemy wykonywać łączenia.(NIE WIEM JAK TO NAPISAC LEPIEJ????)

Możemy jednak to grupowanie wykonać bez kolejnych rekurencyjnych wywoływań transformaty po prostu ustawiając obok siebie współczynniki w takiej kolejności żeby współczynniki wielomianów stopnia 2^l-1 które w wersji rekurencyjnej powstają na m-l poziomie rekursji były w spójnych segmentach $A[0:2^l-1], A[2^l:2\cdot 2^l-1], A[2\cdot 2^l:3\cdot 2^l-1], ..., A[(2^{m-l}-1)\cdot 2^l:2^m-1].$ Przy czym współczynniki wielomianu powstałego na l+1 poziomie rekursji, które w wielomianie powstałym na l-tym poziomie rekursji były przy potęgach o wykładniku parzystym zostają umieszczone w "pierwszej połowie" segmentu długości 2^l w którym były umieszczone na poprzednim etapie, zaś te, które były przy potęgach nieparzystych w drugim.

Zaważmy, że pierwsze "rozbicie" wektora współczynników w wersji rekurencyjnej sprowadza się do wybrania osobno współczynników parzystych i nieparzystych. Tak więc nasze grupowanie powinno w polach o indeksach $(0,1,2,...,2^{m-1}-1)$ umieścić liczby znajdujące się najpierw w polach o indeksach parzystych, czyli mające ostatni bit równy \emptyset , z kolei w polach o indeksach $(2^{m-1},2^{m-1}+1,...,2^m-1)$ powinno umieścić liczby nieparzyste, czyli mające ostatni bit równy 1.

Przyjmijmy, że pierwszy poziom rekursji rozbija wielomian $A(x) = \sum_{i=0}^{2^m-1} a_i x^i$, na $A_0(x) = \sum_{i=0}^{2^{m-1}-1} a_{2i} x^i$ oraz $A_1(x) = \sum_{i=0}^{2^{m-1}-1} a_{2i+1} x^i$.

Gdy umieścimy współczynniki A_0 w $A[0:2^{m-1}-1]$, zaś A_1 w $A[2^{m-1}:2^m-1]$ należy umieścić

Gdy umieścimy współczynniki A_0 w $A[0:2^{m-1}-1]$, zaś A_1 w $A[2^{m-1}:2^m-1]$ należy umieścić współczynniki przy potęgach parzystych w wielomianie A_0 w pierwszej połówce $A[0:2^{m-1}-1]$, nieparzyste zaś w drugiej. I analogicznie współczynniki przy potęgach parzystych w wielomianie A_1

w pierwszej połówce $A[2^{m-1}:2^m-1]$, nieparzyste zaś w drugiej. To który współczynnik jest przy potędze parzystej czy nie w wielomianach A_0 i A_1 decyduje to czy początkowo był przy potędze której wykładnik miał drugi bit równy 0, czy 1. Dalsze kontynuowanie tego rozumowania prowadzi do wniosku, że jeżeli odwrócimy m-1 ostatnich bitów liczby i otrzymamy numer komórki w której powinniśmy umieścić liczbę a_i . Istotnie załóżmy, że liczba powstała po odwróceniu m ostatnich bitów liczby j. Prosta indukcja pozwala stwierdzić, że współczynniki, których indeksy mają k wspólnych ostatnich bitów zostają na k-tym poziomie rekursji umieszczone w tym samym wielomianie. To czy zostaną umieszczone w pierwszej czy drugiej połowie segmentu do którego były przypisane na k-tym poziomie rekursji determinuje to czy ich k+1 bit jest równy 0 czy 1.

To, że liczba powstała po odwróceniu m ostatnich bitów liczby i jest większa niż liczba powstała po odwróceniu m ostatnich bitów liczby j oznacza, że pewna liczba k (być może równa 0) ostatnich bitów liczby i jest taka sama jak liczby j zaś k+1 ostatni bit liczby i jest równy 1, podczas gdy k+1 ostatni bit liczby j jest równy 0. Tak więc do k-tego poziomu rekursji a_i i a_j pozostają w tym samym wielomianie $B(x) = \sum_{l=0}^{2^{m-k}-1} b_l x^l$, czyli w wersji iteracyjnej są w tym samym segmencie długości 2^{m-k} i na k+1 poziomie rekursji w wersji rekurencyjnej a_j jest umieszczane w wielomianie ze współczynnikami $b_0, b_2, ..., b_{2^{m-k}-2},$ zaś a_i w wielomianie ze współczynnikami $b_1, b_3, ..., b_{2^{m-k}-1},$ tak więc w wersji iteracyjnej a_j zostaje w umieszczone w pierwszej połowie segmentu w którym są współczynniki $b_0, b_1, ..., b_{2^{m-k}-1}$ zaś a_i w drugiej, tak więc a_i zostaje umieszczone w komórce o większym indeksie niż a_j . Ponieważ indeksy tablicy $A[0:2^m-1]$ wyznaczają wszystkie możliwe binarne liczby m-bitowe to istotnie jeżeli odwrócimy m-1 ostatnich bitów liczby i otrzymamy numer komórki w której powinniśmy umieścić liczbę a_i .

Przejdźmy do dokładnego opisu naszej implementacji.

Najpierw definiuję funkcję enoughGoodRoot która przyjmuje liczbę k typu __int128 i zwraca element typu field, który jest pierwiastkiem z 1 stopnia 2^k . Jest to po prostu podniesienie elementu field::almostPrimitiveRoot (będącego pierwiastkiem z 1 stopnia 2^r , gdzie r to wartość zmiennej field::degreeOfDegree) field::almostPrimitiveRoot-k razy do kwadratu.

Kolejnym etapem jest odpowiednie ustawienie wartości w komórkach wektora ze współczynnikami wielomianu (nazwę go coefficients) tak by można było wykonać na nim iteracyjną wersję szybkiej transformaty Fouriera.

Funkcja reverseBits służy znalezienia indeksu komórki, w której powinna być umieszczona liczba znajdująca się początkowo w komórce o indeksie x gdzie x jest pierwszym argumentem funkcji reverseBits typu long long, zaś drugim argumentem jest liczba k typu long long wyznaczająca ile ostatnich bitów x należy odwrócić.

Na początku zamieniamy miejscami bity o indeksach parzystych x z nieparzystymi. Robimy to najpierw tworząc dwie kopie zmiennej x. W jednej z nich zerujemy (and-ując ją z odpowiednią maską) bity o indeksach parzystych, zaś w drugiej nieparzystych. Pierwszą kopię przesuwamy o 1 bit w prawo, tak, że bity o indeksach parzystych stały się bitami o indeksach nieparzystych, zaś drugą w lewo i wykonujemy na tak zmodyfikowanych kopiach operację or-a bitowego.

Analogiczną operację jak omówiona w poprzednim akapicie dla bloków składających się z 1-bitowych wykonujemy na blokach 2-bitowych, 4-bitowych, 8-bitowych, 16-bitowych, i 32-bitowych.

Tak zmodyfikowana zmienna x jest odwróconą bitowo początkową wartością zmiennej x. Ponieważ chcieliśmy odwrócić jedynie jej ostatnie k bitów przed zwróceniem x jako wyniku przesuwamy ją jeszcze o 64-k bitów w prawo bez znaku.

Gdy mamy już funkcję reverseBits możemy stworzyć funkcję setToDo transformującą wektor współczynników w "surowej" formie w wektor gotowy do wyliczenia jego szybkiej transformaty Fouriera. Jako argumenty dla tej funkcji otrzymujemy wektor elementów typu field o nazwie coefficients oraz zmienną long long o nazwie size oznaczającą żądaną długość wektora wynikowego(jest to odpowiednio duża potęga dwójki o wykładniku naturalnym). Na początku dopełniamy wektor coefficients elementami równymi field(0) do rozmiaru size. W zmiennej log zapisujemy wartość logarytmu o podstawie 2 na argumencie będącym długością wektora coefficients Następnie w pętli z iteratorem i przechodzącym po wszystkich liczbach naturalnych od 0 do size-1 i jeżeli reverseBits(i,log) > i (warunek ten służy temu, by każdy element został zamieniony dokładnie raz. Zauważmy też, że reverseBits(i,log),log)=i) zamieniam w tabeli pole o indeksie i z polem o indeksie reverseBits(i,log) miejscami. Funkcja nic nie zwraca, a jedynie modyfikuje wektor podany jako argument.

Przejdźmy do funkcji DFT, która otrzymując wektor współczynników wielomianu coefficients, liczbę size nie mniejszą niż długość tego wektora i będący potęgą 2 o wykładniku naturalnym oraz obiekt omegaM typu field, który jest pierwiastkiem z 1 stopnia size zwraca wektor zawierający wartości tego wielomianu w punktach kolejno omegaM^0, omegaM^1,..., omegaM^size-1.

Poniżej umieściłem kod tej procedury.

```
void inline DFT(std::vector<field>&coefficients, long long size, field omegaM){
    setToDo(coefficients, size);
    std::stack<field> omegasM;
    while(omegaM != 1){
        omegasM.push(omegaM);
        omegaM *= omegaM;
    long long m = 1;
    while(!omegasM.empty()){
        field currentOmegaM= omegasM.top();
        std::cout<<std::endl;</pre>
        omegasM.pop();
        field omega = 1;
        m*=2:
        std::cout<<m;
        for(long long j = 0; j < m/2; j+=1){
            for(long long k = j; k < size; k + = m){
                 field t = omega * coefficients[k+m/2];
                 field u = coefficients[k];
                coefficients[k] = u+t;
                 coefficients[k+m/2] = u - t;
            omega *= currentOmegaM;
        }
    }
}
```

Na początku przygotowujemy wektor do wykonania dalszej części obliczeń wywołując zdefiniowaną w poprzednim paragrafie funkcję setToDo na wektorze coefficients i dla liczby size.

Tworzymy stos na który kładziemy wyniki kolejnych złożeń podniesienia do kwadratu liczby omegaM aż do -1.

Póki stos nie będzie pusty będę w każdej iteracji pętli while ściągał z niego kolejne wartości i przypisywał je do zmiennej current0megaM.

W dalszej części będę oznaczał jako ω_i pierwiastek z 1 stopnia 2^i , w \mathbb{Z}_p .

Przyjmijmy oznaczenie, że na początku i-tej iteracji wektor coefficients ma postać $\frac{size}{2^{i-1}}$ bloków postaci $(f_{i,k}(\omega_i^0), f_{i,k}(\omega_i^1), ..., f_{i,k}(\omega_i^{2^{i-1}-1}))$. gdzie k to numer bloku. Chcemy następujące po sobie pary bloków połączyć w jeden blok postaci $(f_{i+1,k}(\omega_{i+1}^0), f_{i+1,k}(\omega_{i+1}^1), ..., f_{i+1,k}(\omega_{i+1}^{2^{i}-1}))$, przy czym $f_{i+1,k}(\omega_{i+1}^j) = f_{i,2k}(\omega_i^{\frac{j}{2}}) + f_{i,2k+1}(\omega_i^{\frac{j}{2}})\omega_{i+1}^j$. Kolejne iteracje pętli z iteratorem j odpowiadają kolejnym punktom w których wyliczamy wartości

Kolejne iteracje pętli z iteratorem j odpowiadają kolejnym punktom w których wyliczamy wartości odpowiednich wielomianów, zaś pętli z iteratorem k numerom kolejnych rozpatrywanych wielomianów. Ponieważ $\omega_{i+1}^{2^i} = -1$ wyliczenie $f_{i+1,k}(\omega_{i+1}^j)$ i $f_{i+1,k}(\omega_{i+1}^{j+2^i})$ wyliczam w jednej iteracji pętli.(jak lepiej to napisać?)

Przejdźmy do pełnej procedury mnożenia.

```
std::vector<field>multiplication(std::vector<field> A, std::vector<field> B){
   long long size = 1;
   while(size < (long long)((A.size() + B.size()) +2 )){
        size *= 2;
   }
   long long 1 = log(size);</pre>
```

```
field omegaM = enoughGoodRoot(1);
    DFT(A, size, omegaM);
    DFT(B, size, omegaM);
    for(long long i=0;i<size;i++){</pre>
        A[i] = B[i] * A[i];
    omegaM = field(1)/omegaM;
    DFT(A, size, omegaM);
    for(long long i=0;i<size;i++){</pre>
        A[i] /= field(size);
    return A;
}
```

Wektorów nie przekazuję przez referencje bo będę je modyfikował.

Najpierw wliczamy wartość size będącą liczbą punktów w których będziemy liczyć wartości wielomianu AB (jest to najmniejsza liczba będąca potęgą 2 o wykładniku naturalnym większa niż stopień AB). Kolejnym etapem jest znalezienie pierwiastka stopnia size z 1 w \mathbb{Z}_p . Następnie wyliczamy przez wywołania DFT na odpowiednich argumentach wektor $(A(omegaM^0), A(omegaM^1), ..., A(omegaM^{s-1}))$ oraz $(B(omegaM^0), B(omegaM^1), ..., B(omegaM^{s-1}))$ gdzie s to wartość zmiennej size. Następnie w kopii wektora A zapisuję wartości AB w kolejnych punktach będące wartościami odpowiednich mnożeń.

Okazuje się, że aby zmienić, wektor $(AB(omegaM^0), AB(omegaM^1), ..., AB(omegaM^{s-1}))$ gdzie s jest wartością zmiennej size w wektor kolejnych współczynników AB wystarczy wywołać na nim DFT z drugim argumentem równym size i trzecim będącym równym odwrotności omega
M w \mathbb{Z}_p , a następnie podzielić w \mathbb{Z}_p każdy jego element przez size.

7 Pochodna algebraiczna i jej własności

Klasyczna analityczna definicja pochodnej jest to przekształcenie funkcji f(x) w funkcję f'(x) taką, że $f'(x) = \lim_{h \to 0} \frac{f(x+h) - f(x)}{h}$. Definicja taka traci jednak cały sens jeżeli chcemy zmienić dziedzinę funkcji f i f' z liczb rzeczywistych na dziedzinę gdzie nie możemy zmniejszać h w taki sposób by było dowolnie małe lecz niezerowe. Przykładem takiej dziedziny jest ciało \mathbb{Z}_p .

Zauważmy, że jeżeli funkcja $f \mathbb{R} \to \mathbb{R}$ jest gładka w okolicy 0, możemy ją utożsamić z jej szeregiem Taylora $\sum_{i=0}^{\infty} f_i x^i$.

Weźmy liczbę pierwszą p. W dalszej części sekcji będę zakładał, że współczynniki szeregu Taylora rozważanej funkcji są postaci $\frac{a_i}{b_i}$, gdzie $a,b\in\mathbb{Z}$ i b jest niepodzielne przez p. Przy takim założeniu napis $\sum_{i=0}^{\infty} \frac{a_i}{b_i} x^i$ zachowuje algebraiczny sens również w ciele reszt \mathbb{Z}_p , w którym liczbę całkowitą utożsamiamy z jej resztą z dzielenia przez p. W języku szeregów Taylora pochodną można zdefiniować jako przekształcenie funkcji $f(x) = \sum_{i=0}^{\infty} f_i x^i$ w funkcję $f'(x) = \sum_{i=0}^{\infty} (i+1) f_{i+1} x^i$. Udowodnię teraz, że tak zdefiniowana pochodna, dla funkcji $f(x) = \sum_{i=0}^{\infty} f_i x^i$ i $g(x) = \sum_{i=0}^{\infty} g_i x^i$ zachowuje własności f' + g' = (f+g)', f' - g' = (f-g)', (fg)' = f'g + fg' oraz f(g)' = f'(g)g'.

```
Lemat: f' + g' = (f+g)' oraz f' - g' = (f-g)'

Dowód: f' + g' = \sum_{1}^{\infty} i f_i x^{i-1} + \sum_{1}^{\infty} i g_i x^{i-1} = \sum_{1}^{\infty} i (f_i + g_i) x^{i-1} = (f+g)' i analogicznie f' - g' = \sum_{1}^{\infty} i f_i x^{i-1} - \sum_{1}^{\infty} i g_i x^{i-1} = \sum_{1}^{\infty} (f_i - g_i) x^{i-1} = (f-g)'
```

```
Lemat: (fg)' = f'g + fg'.
 \begin{array}{lll} \textbf{Dow\'od:} & (fg)' = f \ g + fg \ . \\ \textbf{Dow\'od:} & (fg)' = ((\sum_{i=0}^{\infty} f_i x^i)(\sum_{i=0}^{\infty} g_i x^i))' = (\sum_{i=0}^{\infty} (\sum_{j=0}^{i} f_j g_{i-j}) x^i)' = \\ \sum_{i=1}^{\infty} (\sum_{j=0}^{i} f_j g_{i-j}) i x^{i-1} = \sum_{i=0}^{\infty} (\sum_{j=0}^{i} f_j g_{i+1-j}) (i+1) x^i \ z \ \text{kolei} \\ f'g + fg' = (\sum_{0}^{\infty} (i+1) f_{i+1} x^i)(\sum_{i=0}^{\infty} g_i x^i) + (\sum_{0}^{\infty} (i+1) g_{i+1} x^i)(\sum_{i=0}^{\infty} f_i x^i) = \\ \sum_{i=0}^{\infty} (\sum_{j=0}^{i} f_{i+1-j} g_j (i+1-j)) x^i + \sum_{i=0}^{\infty} (\sum_{j=0}^{i} g_{i+1-j} f_j (i+1-j)) x^i = \sum_{i=0}^{\infty} (\sum_{j=0}^{i} g_{i+1-j} f_j (i+1) x^i = (fg)' \end{aligned}
```

Lemat: (f(g))' = f'(g)g'.

Dowód: Na początek przyjmijmy, że $f(x) = x^k$, gdzie k jest liczbą naturalną. Dla k = 0 i k=1 teza jest spełniona. Niech teza jest spełniona dla $f(x)=x^l$ oraz dla każdego naturalnego kmniejszego niż l. Wtedy $(g^k)'=((g^{k-1})g)'=(g^{k-1})g'+g(g^{k-1})'=(g^{k-1})g'+g((k-1)g^{k-2}g')=(g^{k-1})g'+((k-1)g^{k-1}g')=kg^{k-1}g',$ tak więc na mocy zasady indukcji dla dowolnego k naturalnego jeżeli $f(x)=x^k$ to (f(g))'=f'(g)g' dla dowolnego g postaci $\sum_{i=0}^\infty g_ix^i$. W takim razie dla dowolnego f postaci $\sum_{i=0}^\infty f_ix^i$ zachodzi $(f(g))'=(\sum_{i=0}^\infty f_ig(x)^i)'=\sum_{i=0}^\infty f_i(g(x)^i)'=\sum_{i=0}^\infty f_i(g(x)^i$

8 Implementacja algorytmu Jin i Wu

W tej części pracy dla funkcji F(x), której szereg Taylora ma postać $\sum_{i=0}^{\infty} f_i x^i$ jako F_t będziemy oznaczać $\sum_{i=0}^{t} f_i x^i$.

Zasadnicza implementacja algorytmu Jin i Wu składa się z 4 funkcji.

Pierwszą z nich jaką omówię jest funkcja B, której zadaniem jest wyliczenie pierwszych t+1 współczynników szeregu Taylora $B(x) = \ln(\prod_{i=1}^{n} (1 + x^{s_i})).$

Funkcja B wyznacza wektor t+1 pierwszych wyrazów szeregu Taylora w ciele \mathbb{Z}_p następującej funkcji:

$$B(x) = \ln(\prod_{i=1}^{n} (1 + x^{s_i})) = \sum_{i=1}^{n} \ln(1 + x^{s_i}) = \sum_{i=1}^{n} (\sum_{j=1}^{\infty} \frac{(-1)^{j-1}}{j} x^{s_i j})$$

Niech a_k będzie oznaczać liczbę elementów S równych k.

Przy tak przyjętych oznaczeniach

$$B_t(x) = \sum_{i=1}^n \left(\sum_{j=1}^{\lfloor \frac{t}{s_i} \rfloor} \frac{(-1)^{j-1}}{j} x^{s_i j} \right) = \sum_{k=1}^t \left(\sum_{j=1}^{\lfloor \frac{t}{k} \rfloor} \frac{a_k (-1)^{j-1}}{j} x^{jk} \right)$$

Spójrzmy na implementację funkcji B.

```
std::vector<field> B(std::vector<field> s, long long t){
    std::vector<field> a(t+1,field(0));
    std::vector<field> ans(t+1,field(0));
    int K;
    for(int i =0; i<s.size(); i++){
        if(s[i].getValue()<=t)a[s[i].getValue()] ++;</pre>
    for(long long k = 1; k \le t; k++){
        for(long long j = 1; j \le t/k; j++){
            field x = field(-1);
            ans[k*j] = ans[k*j] + a[k]*(x^{(j-1)})/field(j);
    return ans;
}
```

Na początku tworzę wektor a którego k-ty element oznacza zdefiniowane wcześniej a_k . Reszta kodu jest prostym przetłumaczeniem matematycznej notacji sumy na składnię zawierającą pętle, przy czym pole ans[i] odpowiada współczynnikowi przy x^i w rozwinieciu w szereg Taylora funkcji B(x).

Kolejne dwie funkcje to compute i mainCompute.

Ich celem jest wyliczenie współczynników $(\exp(B(x)))_t = (\sum_{i=0}^{\infty} \frac{B(x)^i}{i!})_t$ Algorytm ten bazuje na spostrzeżeniu, że żeby wyliczyć $G_t(x)$, gdzie $G(x) = \exp(F(x))$ i $F(x) = \exp(F(x))$ Niech rozwinięcie w szereg Taylora funkcji G ma postać $\sum_{i=0}^{\infty} g_i x^i$. Co więcej $G_t(F(x)) = G_t(F_t(x))$ Niech rozwinięcie w szereg Taylora funkcji G ma postać $\sum_{i=0}^{\infty} g_i x^i$

```
Zauważmy, że G'(x) = (\exp(F(x)))' = \exp(F(x))F'(x) = G(x)F'(x), tak więc \sum_{i=0}^{\infty} (i+1)g_{i+1}x^i = (\sum_{i=0}^{\infty} g_i x^i)(\sum_{i=1}^{\infty} i f_i x^{i-1}) = \sum_{i=0}^{\infty} (\sum_{j=1}^{i+1} j f_j g_{i+1-j})x^i
Tak więc (i+1)g_{i+1} = \sum_{j=1}^{i+1} j f_j g_{i+1-j}, czyli g_{i+1} = (i+1)^{-1}(\sum_{j=1}^{i+1} j f_j g_{i+1-j}). Zauważmy, że G(0) = g_0, tak więc mając wyliczone f_0, f_1, ..., f_t jesteśmy w stanie wyliczyć g_1, g_2, ..., g_t, wyliczając je
```

po kolei.

Weźmy liczbę pierwszą p > t.

 $B(x) = \ln(\prod_{i=0}^{n} (1+x^{s_i})) = \sum_{i=1}^{n} (\sum_{k=1}^{\infty} \frac{(-1)^{k-1} x^{s_i k}}{k}) := \sum_{i=0}^{\infty} b_i x^i, \text{ wiec każda z liczb } b_0, b_1, ..., b_t$ da się zapisać jako liczba wymierna postaci $\frac{x}{y}$, gdzie x, y to względnie pierwsze liczby naturalne i y nie jest podzielne przez p. Jeżeli x i y utożsamimy z resztą dzielenia ich przez p to wartość wyrażenia $\frac{x}{y}$ da się wyliczyć w ciele \mathbb{Z}_p .

Niech $A(x) = \exp(B(x)) = \prod_{i=0}^{n} (1+x^{s_i}) := \sum_{i=0}^{\infty} a_i x^i$. Wiemy, że $a_{i+1} = (i+1)^{-1} (\sum_{j=1}^{i+1} j b_j a_{i+1-j})$, a także $a_0 = \prod_{i=0}^{n} (1+0^{s_i}) = 1$, więc każda z liczb a_i , gdzie $i \in \{0,1,2,..,t\}$ da się przedstawić w postaci $\frac{X_i}{Y_i}$, gdzie X_i, Y_i to względnie pierwsze liczby naturalne i Y_i nie jest podzielne przez p. Jeżeli X_i i Y_i utożsamimy z resztą dzielenia ich przez p to wartość wyrażenia $\frac{X_i}{Y_i}$ da się wyliczyć w ciele Z_p i wartość liczby a_i dla naturalnego i nie większego niż t jest równa 0 wtedy i tylko wtedy gdy dla jej postaci $\frac{X_i}{Y_i}$ p dzieli X_i . Zauważmy, że A(x)jest iloczynem wielomianów o całkowitych współczynnikach, więc też jest wielomianem o całkowitych współczynnikach, więc a_i jest wartością całkowitą, która w ciele Z_p jest utożsamiona z 0 wtedy i tylko wtedy, gdy jest podzielna przez p.

Na mocy powyższych rozważań, możemy dalsze obliczenia wykonywać w ciele \mathbb{Z}_p , chyba, że explicite zaznacze inaczej.

Procedura mainCompute jako argument przyjmuje wektor f t+1 pierwszych współczynników rozwinięcia w szereg Taylora funkcji B. Na początku inicjuje wynikowy t+1-elementowy wektor g ustawiając wszystkie jego komórki poza g[0] na 0, z kolei g[0] ustawiamy na 1. Następnie uruchamiamy funkcję compute na argumentach 0, t, g i f.

Funkcja compute zapisuje do wektora podanego jako trzeci argument(oczywiście przez referencje, żeby można było go modyfikować) wartości kolejnych współczynników szeregu Taylora funkcji q(x) = $\exp(\sum_{i=0}^{t} f_i x^i)$, gdzie t+1 to długość wektora podanego jako czwarty argument, zaś f_i to wartość i-tej komórki wektora podanego jako czwarty argument. W dalszej części jako f_i będę oznaczał wartość i-tej komórki wektora podanego jako czwarty argument, zaś
 jako g_i będę oznaczał wartość i-tej komórki wektora podanego jako trzeci argument. Jako t będę oznaczał f.size()-1

Idea funkcji compute bazuje na tym, że aby wyliczyć $g_i = (i+1)^{-1} (\sum_{j=1}^{i+1} j f_j g_{i+1-j})$ dla wszystkich $i \in \{1, 2, ..., t\}$ należy wykonać $O(n^2)$ dodawań składników postaci $(i+1)^{-1}jf_jg_{i+1-j}$ do odpowiednich komórek. Nie każde dodawanie można wykonać w dowolnym momencie, ponieważ wartości komórek wektora g ulegają zmianie. Dodawanie uznamy za dozwolone, jeżeli g_{i+1-j} obecne w dodawanym składniku $(i+1)^{-1}f_jg_{i+1-j}$ nie ulega zmianie.

Zapisana w pseudokodzie funkcja compute ma postać:

```
procedure compute(1,r,g,f)
    if l < r
         m <- floor((l+r)/2) #obliczenia w tej linii wykonujemy w liczbach naturalnych
         compute(1, m, g, f)
         for i <- m+1, m+2,...,r
             for j < -1, 1+1, ..., m
                 g[i] \leftarrow g[i] + (i-j)f[i-j]g[j]/i
             end for
         end for
         compute(m+1,r,g,f)
    end if
end procedure
```

Po wykonaniu compute(1,r,f,g) chcemy, żeby wartości $g_l,g_{l+1},...,g_r$ były już ustawione na wartości docelowe, zaś przed wykonaniem compute(1, r, f, g) chcemy, żeby wszystkie składniki postaci $(i+1)^{-1}f_ig_{i+1-j}$ gdzie i+1-j < lzostały już dodane do odpowiednich komórek g o indeksach należących do $\{0,1,...,r\}$. Chcemy też, żeby każda operacja dodawania była dozwolona.

Jeżeli długość g jest równa 0 to żądania napisane w poprzednim akapicie są spełnione. Załóżmy indukcyjnie, że są spełnione dla g długości 0, 1, 2, ..., t-1. Niech długość g jest równa t.

Wywołanie compute(0,t,f,g) sprowadza się do wywołania compute(0,m,f,g), gdzie m to wynik wykonanej w liczbach całkowitych działania $\lfloor \frac{t}{2} \rfloor$. Po jej wykonaniu z tezy indukcyjnej $g_0,g_2,...,g_m$ mają docelowe wartości. Następnie przechodzimy do wykonania pętli

```
for i <- m+1, m+2,...,r
    for j<-l,l+1,..,m
        g[i] <- g[i]+(i-j)f[i-j]g[j]/i
    end for
end for</pre>
```

Ponieważ indeks j jest nie większy niż m wszystkie dodawania są dozwolone. Po wykonaniu tej pętli zostają już wykonane wszystkie potrzebne dodania wyrazów postaci g[i]+(i-j)f[i-j]g[j]/i, gdzie j jest nie większe niż m. Następnie wykonujemy compute(m+1,r,g,f), co przypomina wywołanie compute(0,r-m-1,f,g) z tą modyfikacją, że w momencie gdy wykonalibyśmy linię g[i] <- g[i]+(i-j)f[i-j]g[j]/i każde wystąpienie zmiennych i i j zastępujemy odpowiednio zmiennymi i+m+1 i j+m+1. Ponieważ zgodnie z tezą indukcyjną po wykonaniu compute(0,r-m-1,f,g) g_i zostaje zwiększone o $(i+1)^{-1}(\sum_{j=1}^{i+1}jf_jg_{i+1-j})$, dla $i\in\{1,2,...,r-m-1\}$ to po wykonaniu compute(m+1,r,f,g) g_{i+m+1} zostaje zwiększone o $(m+1+i+1)^{-1}(\sum_{j=1}^{i+1}jf_{m+1+j}g_{m+1+i+1-j})$, dla $i\in\{1,2,...,r-m-1\}$, więc po wykonaniu compute(m+1,r,g,f) $g_i=(i+1)^{-1}(\sum_{j=1}^{i+1}jf_jg_{i+1-j})$ dla każdego $i\in\{0,1,2,3,...,t\}$.

Nasza implementacja jednak korzysta z jednego usprawnienia. Zauważmy, że iloczyn wielomianów $F(x) = \sum_{k=0}^{r-l} k f_k x^k$ i $G(x) = \sum_{j=0}^{m-l} g_{j+l} x^j$, ma postać $\sum_{i=0}^{r+m-2l} (\sum_{k=0}^{r-l} k f_k g_{i-k+l}) x^i$, tak więc w tym iloczynie współczynnik przy potędze x^{i-l} podzielony przez i jest równy liczbie o którą zostaje zwiększone g_i po wykonaniu pętli

Wykonanie pętli naiwnie zajmuje czas $O(t^2)$, zaś wykorzystanie szybkiej teorio-liczbowej transformaty Fouriera do mnożenia wielomianów, w mojej implementacji przyspieszyć wykonanie tej pętli do $O(t \ln(t))$. Niech T(t) oznacza czas wykonania compute, gdzie różnica między drugim i pierwszym argumentem wynosi t+1. Ponieważ $T(t)=2T(\frac{t}{2})+O(t \ln(t))$, to $T(t)=O(t \ln^2(t))$.

Kolejną ostatnią już implementowaną prze zemnie funkcją jest JinWu. Przyjmuje ona wektor s elementów zbioru S, oraz liczbę t. Najpierw losuje liczbę pierwszą p która jest wynikiem wykonania funkcji find_prime(s.size(),t). Następnie wywołując field::setP(p) ustawiam zmienne statyczne klasy field tak, żeby obliczenia w niej wykonywane odpowiadały wykonaniu ich w klasie Z_p . Potem do wektora Bans przy pomocy wykonania funkcji B(s,t) zapisuję t+1 pierwszych współczynników (w Z_p) szeregu Taylora funkcji $B(x) = \ln(\prod_{i=0}^{n-1}(1+x^{s_i}))$, gdzie jako n oznaczam długość wektora s, zaś jako s_i oznaczam jego i-tą komórkę w Z_p (będę to oznaczenie stosował również w dalszej części pracy). Następnie do wektora compute
Ans zapisuję t+1 pierwszych współczynników
(w Z_p) szeregu Taylora funkcji $A(x)=\prod_{i=0}^{n-1}(1+x^{s_i})$ jako wynik procedury main
Compute(t,Bans). Zauważmy, że ponieważ A(x) jest wielomianem współczynnik przy potędze x^i w jego rozwinięciu w szereg Taylora jest po prostu współczynnikiem przy potędze x^i w wielomianie A(x), zaś współczynnik przy potędze x^i w A(x) oznacza ilość sposobów wybrania ciągu indeksów naturalnych $-1 < i_1 < i_2 < ... < i_m < i_m$ n, takich, że $x^{s_{i_1}+s_{i_2}+...+s_{i_m}}=x^i$, czyli ilość podzbiorów S dających sumę i. Ponieważ liczby te zapisujemy jako elementy Z_p możliwe, computeAns[t] jest równe 0 mimo, że istnieją podzbiory So sumie t jednak ich liczba jest podzielna przez p. Jednak liczba tych podzbiorów na pewno jest nie większa niż 2^n , więc ma co najwyżej n różnych czynników pierwszych. Eksperymenty w sekcji poświęconej losowaniu liczby pierwszej zostało wykazane, że liczba możliwych do wylosowania wartości p jest $O(\frac{(n+t)^3}{\log(n+t)}) = O((n+t)^2)$, więc prawdopodobieństwo, że p dzieli niezerową liczbę podzbiorów So sumie t jest $O(\frac{n}{(n+t)^2}) = O(\frac{1}{n+t})$.

Literatura

- [1] Ashish Agarwal. Encrypting messages using the merkle-hellman knapsack cryptosystem. *IJCSNS*, 11(5):12, 2011.
- [2] Eric Bach. Comments on search procedures for primitive roots. *Mathematics of computation*, 66(220):1719–1727, 1997.
- [3] Anja Becker, Jean-Sébastien Coron, and Antoine Joux. Improved generic algorithms for hard knapsacks. In Advances in Cryptology-EUROCRYPT 2011: 30th Annual International Conference on the Theory and Applications of Cryptographic Techniques, Tallinn, Estonia, May 15-19, 2011. Proceedings 30, pages 364–385. Springer, 2011.
- [4] David Biesner, Rafet Sifa, and Christian Bauckhage. Solving subset sum problems using binary optimization with applications in auditing and financial data analysis. 2022.
- [5] Konrad Durnoga and Jacek Pomykała. Large sieve, miller-rabin compositeness witnesses and integer factoring problem. Fundamenta Informaticae, 156(2):179–185, 2017.
- [6] Hari Krishna Garg. Digital signal processing algorithms: number theory, convolution, fast Fourier transforms, and applications. Routledge, 2017.
- [7] Ellis Horowitz and Sartaj Sahni. Computing partitions with applications to the knapsack problem. Journal of the ACM (JACM), 21(2):277–292, 1974.
- [8] Nick Howgrave-Graham and Antoine Joux. New generic algorithms for hard knapsacks. In Advances in Cryptology-EUROCRYPT 2010: 29th Annual International Conference on the Theory and Applications of Cryptographic Techniques, French Riviera, May 30-June 3, 2010. Proceedings 29, pages 235-256. Springer, 2010.
- [9] Ce Jin and Hongxun Wu. A simple near-linear pseudopolynomial time randomized algorithm for subset sum. arXiv preprint arXiv:1807.11597, 2018.
- [10] Tomohiro Sasamoto, Taro Toyoizumi, and Hidetoshi Nishimori. Statistical mechanics of an np-complete problem: subset sum. *Journal of Physics A: Mathematical and General*, 34(44):9555, 2001.
- [11] Richard Schroeppel and Adi Shamir. A $t=o(2^n/2)$, $s=o(2^n/4)$ algorithm for certain np-complete problems. SIAM journal on Computing, 10(3):456–464, 1981.
- [12] Zhongde Wang. Fast algorithms for the discrete w transform and for the discrete fourier transform. *IEEE Transactions on Acoustics, Speech, and Signal Processing*, 32(4):803–816, 1984.
- [13] Frank Wyrowski and Olof Bryngdahl. Iterative fourier-transform algorithm applied to computer holography. *JOSA A*, 5(7):1058–1065, 1988.