

Licenciatura em Engenharia Informática

Regime Pós-Laboral

Introdução à Inteligência Artificial

2020/2021

Liliana Faustino 2017012944

Algoritmos de Pesquisa Local

- Trepa Colinas First Choice
- Trepa Colinas aceita soluções com qualidade igual
- Trepa Colinas com 3 vizinhanças e aceita soluções de qualidade igual
- Trepa Colinas Probabilístico

Algoritmos Genéticos

- Algoritmo Base
- Algoritmo Recombinação de 2 Pontos de Corte + Mutação por Troca
- Algoritmo Recombinação Uniforme + Mutação por Troca

Algoritmos Genéticos - Algoritmo Base

```
function crossover (problema) retorna os descendentes
      inputs: parents
              tamanho populacao
              numGenes
              parametro PR
      variáveis locais: ponto corte
                        probabilidade gerada
      loop for i = 0 until tamanho_populacao incrementando 2
            if probabilidade gerada < parametro PR then
               ponto corte = random(0, numGenes-1)
               loop for j = 0 until ponto corte incrementando 1
                  descendente[i].posicao[j] <- parents[i].posicao[j]</pre>
                  descendente[i+1].posicao[i] <- parents[i+1].posicao[i]
               loop for j = ponto corte until numGenes incrementando 1
                  descendente[i].posicao[i] <- parents[i+1].posicao[i]
                  descendente[i+1].posicao[j] <- parents[i].posicao[j]</pre>
            else
                  descendente[i] <- parents[i]
                  offspdescendentering[i+1] <- parents[i+1]
```

Algoritmos Genéticos - Algoritmo Base

```
function mutacao por troca(problema) retorna os descendentes trocados
      inputs: descendentes
              tamanho populacao
              numGenes
              parametro PM
      variáveis locais: posicao 1
                        posicao 2
                        probabilidade gerada
      loop for i = 0 until tamanho_populacao incrementando 1
           if probabilidade gerada < parametro PM then
               posicao 1 = random(0, numGenes-1)
               loop do
                   posicao 2 = random(0, numGenes-1)
               until posicao 2 != posicao 1
               descendente[i].posicao[posicao 1] < -
descendente[i].posicao[posicao 2]
               descendente[i].posicao[posicao 1] < -
descendente[i].posicao[posicao 2]
```

Algoritmos Genéticos - Algoritmo Recombinação com 2 pontos de Corte

```
function recombinação 2 pontos corte retorna os descendentes
      inputs: parents
              tamanho populacao
              numGenes
              parametro PR
      variáveis locais: ponto corte 1
                        ponto corte 2
                        probabilidade gerada
      loop for i <- 0 until tamanho população incrementando 2
            if probabilidade gerada < parametro PR then
               loop do
                        ponto corte 1 <- random(0, numGenes-1)
                        ponto corte 2 <- random(0, numGenes-1)
               until ponto corte 1 != ponto corte 2
               loop for j <- 0 until ponto corte 1 incrementando 1
                  descendente[i].posicao[i] <- parents[i].posicao[i]
                  descendente[i+1].posicao[j] <- parents[i+1].posicao[j]</pre>
               loop for i <- ponto corte 1 until ponto corte 2
incrementando 1
                  descendente[i].posicao[i] <- parents[i+1].posicao[i]
                  descendente[i+1].posicao[j] <- parents[i].posicao[j]</pre>
               loop for j <- ponto corte 2 until numGenes incrementando 1
                  descendente[i].posicao[j] <- parents[i].posicao[j]</pre>
                  descendente[i+1].posicao[j] <- parents[i+1].posicao[j]</pre>
            else
                  descendente[i] <- parents[i]
                  offspdescendentering[i+1] <- parents[i+1]
```

Algoritmos Genéticos - Algoritmo Recombinação uniforme

```
function recombinacao uniforme retorna os descendentes
      inputs: parents
              tamanho populacao
              numGenes
              parametro PR
      variáveis locais: probabilidade gerada
      loop for i <- 0 until tamanho população incrementando 2
            if probabilidade gerada < parametro PR then
               loop for j <- 0 until numGenes incrementando 1
                     if random (0, 1) == 1 then
                         descendente[i].posicao[j] <- parents[i].posicao[j]</pre>
                         descendente[i+1].posicao[i] <- parents[i+1].posicao[i]</pre>
                     else
                         descendente[i].posicao[j] <- parents[i+1].posicao[j]</pre>
                         descendente[i+1].posicao[i] <- parents[i].posicao[i]</pre>
            else
                  descendente[i] <- parents[i]</pre>
                  offspdescendentering[i+1] <- parents[i+1]
```

Algoritmos Híbridos

- Trepa colinas na População Inicial
- Trepa colinas na População Final
- Trepa colinas no Ciclo de Gerações

Conclusões Finais