

Part III-B: Medicine AI

Lecture by None

Note by THF

2024 年 10 月 1 日

目录

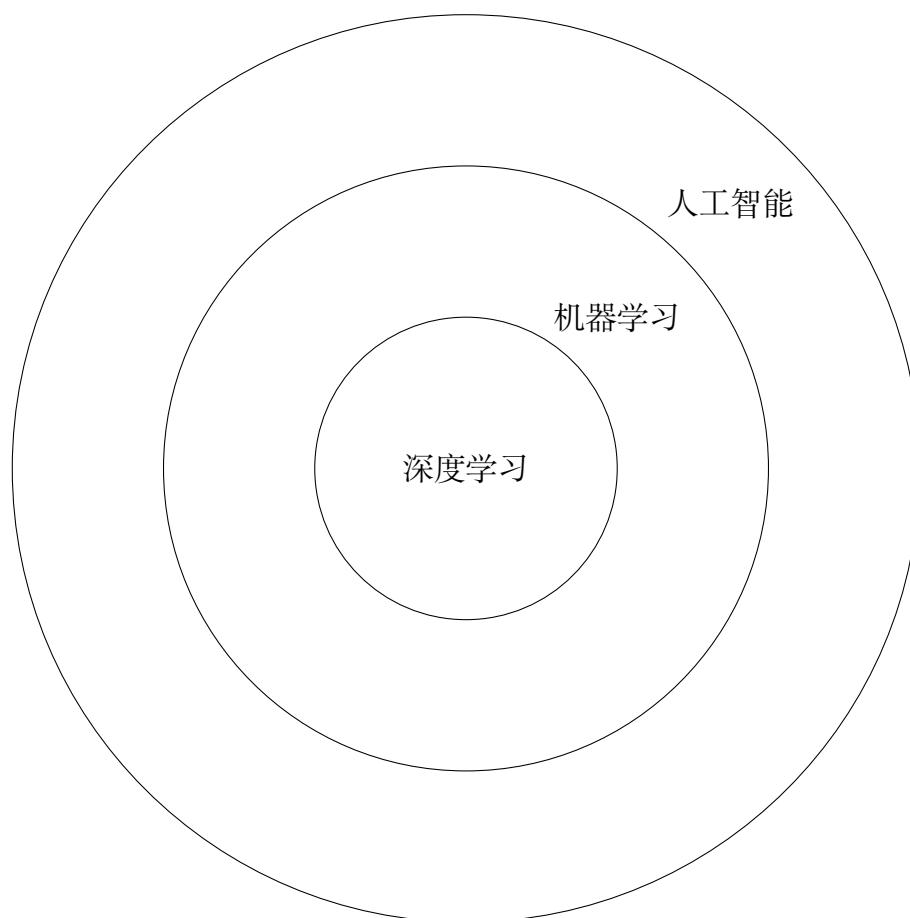
1	导论	1
1.1	监督学习	2
1.1.1	数据挖掘	3
1.1.2	数据选择	3
1.1.3	数据表征	3

1 导论

Notation. 机器学习的流程：

- 1. 确立目标
- 2. 收集数据
- 3. 数据预处理
- 4. 数据分析
- 5. 模型训练
- 6. 模型评估优化
- 7. 预测

机器学习和人工智能的关系：



机器学习算法包含：无监督学习、监督学习、强化学习

1.1 监督学习

Notation. 机器学习选择数据要求：

1. 了解数据类型、属性、量纲
2. 分析分布特性
3. 选择高可信度数据
4. 进行数据表征（将原始数据转换为计算机可识别数据）

Example. 医药领域对小分子、蛋白质、核酸进行特征数字化方法

1.1.1 数据挖掘

1. 通过数据分析与统计学规律
2. 通过爬虫与自动化程序

1.1.2 数据选择

通过一部分数据来体现总体数据

1.1.3 数据表征

Example. 分子指纹:

首先提取分子结构特征 (官能团等), 使用分子结构特征生成比特向量, 每个比特元素对应一种分子片段, 通过对比比特向量的相似度来记录分子特征

分子指纹分类: 基于子结构、拓扑或路径、药效集团的分子指纹和圆形分子指纹

Notation. SMILES/简化分子线性输入规范:

SMILES 是一种 ASCII 字符串, 具体规则如下

SMILES RULE

1. 简单规则

原子: 原子缩写符号

Example. Au, Pt, C, N

离子: 原子加上电荷数, 外接中括号

Example. Fe^{3+} : [Fe+++]

C^- : [C-]

Pt^{6+} : [Pt+++++]

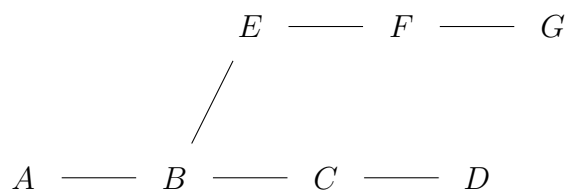
H 原子: 省略

相邻原子: 直接连接

Example. Dodecane: CCCCCCCCCCCC (12 Carbons)

分支：以小括号表示

Example. Write in git style:



SMILES: AB(EFG)CD