# Part III-B: Medicine AI

# Lecture by None Note by THF

### 2024年10月31日

## 目录

0.1 模型评估和性能度量	
0.2 模型性能度量	
Learn 5	10.23
0.1 模型评估和性能度量	
Notation. 留出法 $(hold\text{-}out)$ : 将原始数据集 $D$ 分为两个互斥的子集 $S,T$ , $S$ 作为训练数据集, $T$ 作为测	
は数提集・ $D - S \cap T = \emptyset$	

在划分任务时要尽量保证 S 和 T 中的样本类别比例相似

#### Example.

$$D(a, b) \rightarrow S(\lambda a, \lambda b) \cup T((1 - \lambda) a, (1 - \lambda) b)$$
.

该过程称为分层采样法,其中  $\lambda \in \left[\frac{2}{3}, \frac{4}{5}\right]$ 

使用 S 训练模型, T 进行模型测试, 多次随机划分 a,b 在 S 和 T 内的内容, 多次实验取测试结果平均值

**Notation.** 交叉验证法/k 折交叉验证 (cross validation/k-fold cross validation):

$$D = D_1 \cup D_2 \cup \ldots \cup D_k \, \coprod D_I \cap D_j = \emptyset \, (i \neq j) \, .$$

None: Medicine AI 2

此处  $\forall D_i$  由 D 分层采样得到

每次实验使用 k-1 个子集的并集训练,剩下的一个子集作为测试集:

$$S = \sum_{i=1}^{m-1} D_i + \sum_{i=m+1}^{k} D_i \quad T = D_m.$$

取不同的 m 值共可以得到 k 组 "训练集-测试集",得到 k 个结果,取 k 个结果的平均值

Example. 5 折交叉验证的数据划分:

Notation. 若样本量 m 等于子集数 k , 交叉验证法等同于留一法 (leave one out, LOO)

留一法的优点: 训练结果更准确

缺点: 样本量太大的时候消耗过多资源

#### 0.2 模型性能度量

Notation. 错误率:

$$E = \frac{1}{m} N \left( f \left( x_i \right) \neq y_i \right).$$

准确率:

$$Acc = \frac{1}{m} N \left( f \left( x_i \right) = y_i \right).$$

m 为样本总数,  $N(f(x_i) = y)$  表示符合特征  $f: x \to y$  的样本数量

None: Medicine AI 3

Learn 6

Notation. 二分类问题:

将一个样本分至两个类别的问题,如:鉴定邮件是否为垃圾邮件,预测某人 是否会患上某种疾病等问题

对于二分类问题,真实结果有两种,使用模型预测也会产生两种结果,组合 得到混淆矩阵:

其中: 阳性/阴性为模型预测结果, 真/假为真实结果准确率 (Acc) 根据混淆矩阵的计算:

$$Acc = \frac{TP + TN}{TP + TN + FP + FN}.$$

Notation. 马修斯相关系数 (Matthews Correlation Coefficient, MCC): MCC 比 Acc 更加全面(正负数据不平衡)

$$\mathrm{MCC} = \frac{\mathrm{TP} \times \mathrm{TN} - \mathrm{FP} \times \mathrm{FN}}{\sqrt{\left(\mathrm{TP} + \mathrm{FP}\right) \left(\mathrm{TP} + \mathrm{FN}\right) \left(\mathrm{TN} + \mathrm{FP}\right) \left(\mathrm{TN} + \mathrm{FN}\right)}} \in [-1, 1].$$

Notation. MCC 结果解读:

- $\circ$  FP = FN = 0 : 无误判结果,代入得: MCC = 1,表示模型完美
- $\circ$  TP = TN = 0: 全部误判,代入得: MCC = -1,表示最差
- ∘ TP × TN = FP × FN , 即 MCC = 0 , 表示模型完全随机判断

当样本中阴性样本远少于阳性样本时,Acc 计算不能涉及到假阴性与假阳性 而 MCC 可以

若第一个模型对阳性和阴性样本判断接近,而第二个模型对阳性样本表现极 佳但对阴性样本表现极差,则 MCC<sub>1</sub> > MCC<sub>2</sub>,而 Acc 可能接近