

ME613 - Análise de Regressão

Parte 3

Samara F. Kiihl - IMECC - UNICAMP

George Box

"All models are wrong but some are useful."



By DavidMCEddy at en.wikipedia, CC BY-SA 3.0

Diagnóstico do Modelo

Introdução

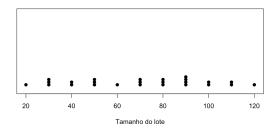
Como saber se a função de regressão é adequada para explicar a relação entre as variáveis observadas?

- Gráficos
- · Testes

Caso a função de regressão não seja adequada, o que fazer?

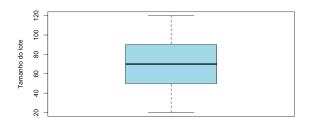
- · Transformação de variáveis.
- · Outro tipo de modelo.

Diagnósticos para a variável preditora

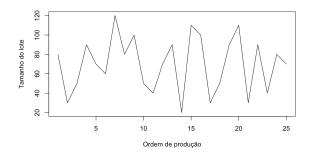


- · Quantas observações em cada valor diferente de *X*?
- · Amplitude dos valores de X.

Diagnósticos para a variável preditora



Diagnósticos para a variável preditora



Se as observações são feitas ao longo do tempo, há correlação entre seus valores e o tempo de observação?

Resíduos

Gráficos de diagnósticos para Y não são úteis em análise de regressão, pois a variável resposta é uma função da preditora.

Os gráficos de diagnósticos são feitos para os resíduos.

· Resíduos:

$$e_i = Y_i - \hat{Y}_i$$

· Erros:

$$\varepsilon_i = Y_i - E(Y_i)$$

Se assumimos $\varepsilon_i \underset{iid}{\sim} \mathcal{N}(0, \sigma^2)$, esperamos que e_i 's, os resíduos observados, reflitam as propriedades assumidas para ε_i 's.

Propriedades dos resíduos

· Média dos resíduos:

$$\bar{e} = \frac{\sum_{i=1}^{n} e_i}{n} = 0$$

Como \bar{e} é sempre nula, não fornece informação sobre $E(\varepsilon_i)$.

· Variância dos resíduos:

$$s^{2} = \frac{\sum_{i=1}^{n} (e_{i} - \overline{e})^{2}}{n-2} = \frac{SQErro}{n-2} = QMErro$$

Se o modelo é apropriado, s^2 é um estimador não viesado para σ^2 .

Resíduos semi-studentizados

Para detectar outliers, muitas vezes é mais útil observar resíduos padronizados. Resíduo semi-studentizado:

$$e_i^* = \frac{e_i}{\sqrt{QME}}$$

Propriedades dos resíduos

· Independência: e_i 's **não são variáveis aleatórias independentes**, pois dependem de \hat{Y}_i , que por sua vez dependem das mesmas estimativas para os parâmetros β_0 e β_1 .

Quanto maior o número de observações com relação ao número de parâmetros estimados, menor é a dependência dos resíduos (pode ser ignorada).

Suposições do modelo estudadas através da análise de resíduos

Podemos utilizar análise de resíduos para verificar se:

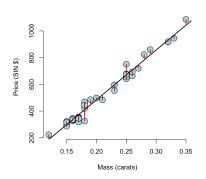
- 1. a função de regressão não é linear
- 2. erros não possuem variância constante (heterocedasticidade)
- 3. erros não são independentes
- o modelo ajustado é adequado, com exceção de algumas observações outliers
- 5. erros não seguem distribuição normal
- 6. uma ou mais variáveis preditoras foram omitidas no modelo

Análise de Resíduos: gráficos

- · Resíduos x Variável preditora
- · Resíduos absolutos x Variável preditora
- · Resíduos x Valores ajustados (\hat{Y})
- · Resíduos ao longo do tempo/em sequência
- · Resíduos X Variável preditora não incluída no modelo
- · Boxplot dos resíduos
- · Gráfico de probabilidade normal dos resíduos

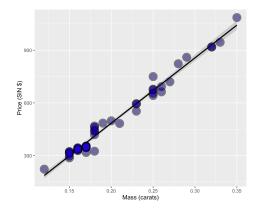
Exemplo: Preço do diamante

Resíduos: comprimento das linhas vermelhas, mantendo o sinal.



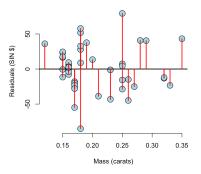
Exemplo: Preço do diamante

Preços de diamantes (dólares de Singapura) e peso em quilates (1 quilate = 0.2g).



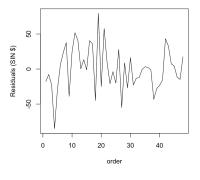
Exemplo: Preço do diamante

Resíduos X Variável preditora



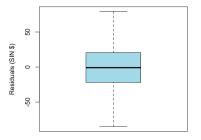
Exemplo: Preço do diamante

Resíduos X ordem



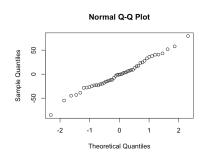
Exemplo: Preço do diamante

Boxplot dos resíduos



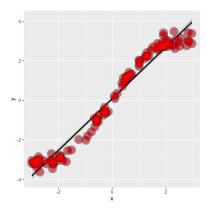
Exemplo: Preço do diamante

Gráfico de normalidade dos resíduos



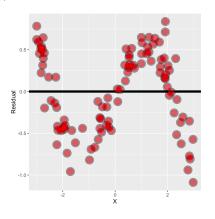
(ver Kutner pag 110)

Exemplo: não-linearidade

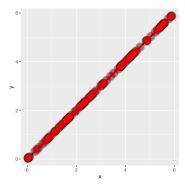


Exemplo: não-linearidade

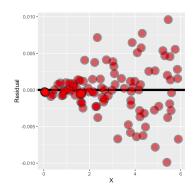
Resíduos X Variável preditora



Exemplo: heterocedasticidade



Exemplo: heterocedasticidade



Análise de Resíduos: testes de hipóteses

Além de gráficos, podemos também utilizar testes de hipóteses estatísticos para avaliar algumas suposições do modelo.

Teste de correlação para normalidade

Calcular coeficiente de correlação entre $e_i\,$ e seus valores esperados, segundo a distribuição normal

Quanto maior a correlação, maior o indício de normalidade dos resíduos.

Detalhes sobre o teste: Looney & Gulledge (1985) - Use of the Correlation Coefficient with Normal Probability Plots

Teste de correlação para normalidade

Calcular a correlação entre os resíduos ordenados e

$$r = \{r_1, r_2, \ldots, r_k \ldots, r_n\}$$

em que r_k é o valor esperado do k-ésimo resíduos, segundo a suposição de normalidades.

$$r_k \approx \sqrt{QME} \left[z \left(\frac{k - 0.375}{n + 0.25} \right) \right]$$

z(A) é o $A \times 100$ percentil da distribuição normal padrão.

Obs: Outro teste conhecido: Teste de Shapiro-Wilks.

Teste de homocedasticidade: Brown-Forsythe

- · Não depende da suposição de normalidade
- Aplicável no caso de regressão linear simples quando a variância do erro aumenta ou decresce com a variável preditora X.
- Tamanho amostral grande o suficiente para que possamos assumir que os resíduos são independentes.
- · Idéia parecida com um teste-t para duas amostras.

Teste de homocedasticidade: Brown-Forsythe

- · X é dividida em X_1 (valores mais baixos de X) e X_2 (valores mais altos de X). Isto é, temos dois grupos.
- e_{i1} é o i-ésimo resíduo para o grupo 1 e e_{i2} é o i-ésimo resíduo para o grupo 2.
- n_i é o número de observações no grupo j
- · $n = n_1 + n_2$.
- \tilde{e}_i é a mediana dos resíduos do grupo j.
- $d_{i1} = |e_{i1} \tilde{e}_1|$ $d_{i2} = |e_{i2} \tilde{e}_2|$

Teste de homocedasticidade: Brown-Forsythe

Estatística do teste:

$$t_{BF}^* = \frac{\bar{d}_1 - \bar{d}_2}{s\sqrt{\frac{1}{n_1} + \frac{1}{n_2}}}$$
$$s^2 = \frac{\sum (d_{i1} - \bar{d}_1)^2 + \sum (d_{i2} - \bar{d}_2)^2}{n - 2}$$

Se a variância é constante e n_1 e n_2 grandes o suficiente, então t_{BF}^* segue distribuição t com n-2 graus de liberdade.

Valores altos de t_{BF}^* indicam heterocedasticidade.

Exemplo: Toluca

```
##
## Welch Two Sample t-test
##
data: d1 and d2
## t = 1.3215, df = 22.999, p-value = 0.1993
## alternative hypothesis: true difference in means is not equal to 0
## 95 percent confidence interval:
## -9.253335 41.982809
## sample estimates:
## mean of x mean of y
## 44.81507 28.45034
```

Não rejeitamos H_0 , isto é, não obtemos evidências para rejeitar a hipótese de homocedasticidade dos erros.

Exemplo: Toluca

```
data <- read.table("./dados/CH01TA01.txt")
x = data[,1]
y = data[,2]
ind1 = which(x<80)
ind2 = which(x>=80)
fit = lm(y~x)
resi = fit$resi
resi1 = resi[ind1]
resi2 = resi[ind2]
d1 = abs(resi1-median(resi1))
d2 = abs(resi2-median(resi2))
t.test(d1,d2)
```

Teste de homocedasticidade: Breusch-Pagan

Assume que $\varepsilon_i \sim \mathcal{N}(0, \sigma_i^2)$.

O seguinte modelo é assumido:

$$\log_e \sigma_i^2 = \gamma_0 + \gamma_1 X_i$$

Se $\gamma_1 = 0$ temos homocedasticidade.

 $H_0: \gamma_1 = 0 \text{ vs } H_1: \gamma_1 \neq 0.$

Teste de homocedasticidade: Breusch-Pagan

Estatística do teste:

$$X_{BP}^2 = \frac{\frac{SQRq}{2}}{\left(\frac{SQE}{n}\right)^2}$$

em que SQRq é a soma de quadrados da regressão de e_i^2 em X e SQE é a soma de quadrados do erro da regressão de Y em X.

Sob
$$H_0$$
, $X_{BP}^2 \sim \chi_1^2$.

Exemplo: Toluca

Exemplo: Toluca

```
 fit = lm(y-x) 
 resi = fit$resi 
 fit$2 = lm(resi^2-x) 
 al <- anova(fit) 
 a2 <- anova(fit2) 
 estatistica <- (a2$`sum $G^[1]/2)/((a1$`sum $G^[2]/length(y))^2)
```

Teste de homocedasticidade: Breusch-Pagan

Diretamente pelo R:

```
library('car')
ncvTest(fit)

## Non-constant Variance Score Test
## Variance formula: ~ fitted.values
## Chisquare = 0.8209192 Df = 1 p = 0.3649116
```

Teste F para falta de ajuste

Queremos testar se a função de regressão proposta é adequada para os dados.

Suposições: as observações de YIX são

- independentes
- · seguem distribuição normal
- · variância constante σ^2

É preciso que tenhamos mais de uma observação para cada nível de X (replicações).

Teste F para falta de ajuste

Com replicações para cada $X=x_k$, temos um estimador para $Var(Y|X=x_k)=\sigma^2$ para todo k.

Por exemplo, quando $X = x_1$, podemos usar $Y_{11}, Y_{12}, \dots, Y_{1n_1}$ e o seguinte estimador para $Var(Y|X = x_1)$:

$$\frac{1}{n_1 - 1} \sum_{i=1}^{n_1} (Y_{1j} - \bar{Y}_1)^2$$

Combinando todas as observações (não apenas as replicações para um dado nível de X), temos o seguinte estimador para σ^2 :

$$s_e^2 = \frac{\sum_{j=1}^m \sum_{u=1}^{n_j} (Y_{ju} - \bar{Y}_j)^2}{\sum_{j=1}^m (n_j - 1)}$$

Teste F para falta de ajuste

Suponha que tenhamos m valores distintos para X

Para cada valor diferente de X, x_i , temos n_i observações.

- · $Y_{11}, Y_{12}, \dots, Y_{1n_1}$ são n_1 repetições para $X = x_1$.
- $Y_{21}, Y_{22}, \dots, Y_{2n_2}$ são n_2 repetições para $X = x_2$.
- $Y_{m1}, Y_{m2}, \dots, Y_{mn_m}$ são n_m repetições para $X = x_m$.

$$n = \sum_{i=1}^{m} \sum_{u=1}^{n_j} 1 = \sum_{i=1}^{m} n_i$$

Teste F para falta de ajuste

$$SQE_p = \sum_{j=1}^{m} \sum_{u=1}^{n_j} = (Y_{ju} - \bar{Y}_j)^2$$

com graus de liberdade $n_e = \sum_{j=1}^m (n_j - 1) = \sum_{j=1}^m n_j - m$.

$$QME_{puro} = s_e^2 = \frac{\sum_{j=1}^{m} \sum_{u=1}^{n_j} (Y_{ju} - \bar{Y}_j)^2}{\sum_{i=1}^{m} n_i - m}$$

Teste F para falta de ajuste

Relembrando:

$$SQE = \sum_{j=1}^{m} \sum_{u=1}^{n_j} (Y_{ju} - \hat{Y}_j)^2$$

Mostre¹ que a SQE pode ser particinada da seguinte forma:

$$\sum_{j=1}^{m} \sum_{u=1}^{n_j} (Y_{ju} - \hat{Y}_j)^2 = \sum_{j=1}^{m} \sum_{u=1}^{n_j} (Y_{ju} - \bar{Y}_j)^2 + \sum_{j=1}^{m} n_j (\hat{Y}_j - \bar{Y}_j)^2$$

Teste F para falta de ajuste

SQE é o numerador de s^2 e SQE_p é o numerador de s_p^2 .

Valores relativamente altos de SQF_a indicam discrepância entre esses dois estimadores e, consequentemente, indicam evidência contra a adequação do modelo de regressão linear simples.

Quanto mais alto o valor de SQF_a , pior é o ajuste do modelo, pois, se o modelo fosse perfeito, teríamos que $SQF_a=0$.

Teste F para falta de ajuste

$$\underbrace{\sum_{j=1}^{m} \sum_{u=1}^{n_{j}} (Y_{ju} - \hat{Y}_{j})^{2}}_{SQE} = \underbrace{\sum_{j=1}^{m} \sum_{u=1}^{n_{j}} (Y_{ju} - \bar{Y}_{j})^{2}}_{SQE_{v}} + \underbrace{\sum_{j=1}^{m} n_{j} (\hat{Y}_{j} - \bar{Y}_{j})^{2}}_{SQF_{a}}$$

SQE é a soma de quadrados dos resíduos, representando a variação em torno da reta.

 SQE_p é a soma de quadrados do erro puro, representando a variação de Y, para X fixo, independente do modelo (pois utilizamos as replicações).

 SQF_a é a soma de quadrados da falta de ajuste, representando a falta de ajuste da modelo.

Teste F para falta de ajuste

*H*₀: o MRLS é adequado

*H*₁: o MRLS não é adequado

Estatística do teste:

$$F^* = \frac{SQF_a/(m-2)}{SQE_p/(n-m)}$$

Teste F para falta de ajuste

Fonte de Variação	gl	SQ
Regressão	1	$SQReg = \sum_{i=1}^{n} (\hat{Y}_i - \bar{Y})^2$
Erro	n - 2	$SQE = \sum_{i=1}^{n} (Y_i - \hat{Y})^2$
(Falta de ajuste)	m - 2	$SQF_a = \sum_{j=1}^m n_j (\hat{Y}_j - \bar{Y}_j)^2$
(Erro puro)	n-m	$SQE_p = \sum_{j=1}^{m} \sum_{u=1}^{n_j} (Y_{ju} - \bar{Y}_j)^2$
Total (ajustada)	n - 1	$SQT = \sum_{i=1}^{n} (Y_i - \bar{Y})^2$

Exemplo: Agências bancárias

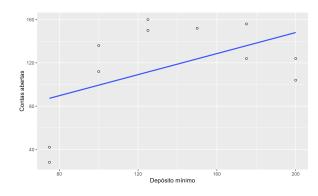
11 agências de um certo banco ofereceram brindes para novos clientes.

Um depósito inicial mínimo era necessário para qualificar para o brinde.

Cada agência especificou o valor do depósito mínimo.

Interesse: valor do depósito mínimo inicial e número de contas que foram abertas na agência.

Exemplo: Agências bancárias



Exemplo: Agências bancárias

Modelo completo:

$$Y_{ij} = \mu_j + \varepsilon_{ij}$$

Temos que $E(Y_{ij}) = \mu_j$, isto é, temos esperança diferente para cada X_j .

Exemplo: Agências bancárias

```
Full=lm(y\sim as.factor(x)-1)
summary(Full)
## Call:
## lm(formula = y \sim as.factor(x) - 1)
## Residuals:
## 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11
## 5 -12 10 -7 0 16 7 -16 -5 -10 12
## Coefficients:
                 Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## as factor(x)75
                   35.00
                              10.71 3.267 0.022282 *
                              10.71 11.573 8.45e-05 ***
## as.factor(x)100 124.00
                              10.71 14.466 2.85e-05 ***
## as.factor(x)125 155.00
                              15.15 10.031 0.000168 ***
## as.factor(x)150 152.00
## as.factor(x)175 140.00
                              10.71 13.066 4.68e-05 ***
## as.factor(x)200 114.00
                             10.71 10.640 0.000127 ***
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
## Residual standard error: 15.15 on 5 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.9933, Adjusted R-squared: 0.9852
## F-statistic: 123.1 on 6 and 5 DF, p-value: 2.893e-05
```

```
Reduced=lm(y~x)
Full=lm(y~as.factor(x)-1)
anova(Reduced, Full)

## Analysis of Variance Table
##
## Model 1: y ~ x
## Model 2: y ~ as.factor(x) - 1
## Res.Df RSS Df Sum of Sq F Pr(>F)
## 1 9 14742
## 2 5 1148 4 13594 14.801 0.005594 **
## ---
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

Estatística do teste:

$$F^* = \frac{SQF_a/(m-2)}{SQE_b/(n-m)} = \frac{13594/4}{1148/5} = 14.8$$

Exemplo: Agências bancárias

Modelo reduzido: reta de regressão.

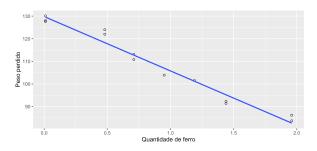
```
## ## Coali:
## ## Cali:
## ## Cali:
## ## Residuals:
## ## -59.23 -34.06 12.61 32.44 48.44
##
## Coefficients:
## ## Coefficients:
## | (Intercept) | 50.7225 | 39.3979 | 1.287 | 0.23
## x | 0.4867 | 0.2747 | 1.772 | 0.11
##
## Residual standard error: 40.47 on 9 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.2586, Adjusted R-squared: 0.1762
## F-statistic: 3.139 on 1 and 9 pF, p-value 0.1102
```

s = 40.47 enquanto que, usando o modelo anterior, temos que $s_e = 15.15$.

Exemplo: Ligas de cobre e níquel

13 ligas de cobre e níquel, mas quantidades diferentes de ferro.

As ligas foram submersas em água do mar por 60 dias e a perda de peso devido à corrosão foi anotada em miligramas por decímetro quadrado por dia.



Exemplo: Ligas de cobre e níquel

```
##
## Call:
## lm(formula = loss ~ Fe, data = corrosion)
## Residuals:
## Min 10 Median 30 Max
## -3.7980 -1.9464 0.2971 0.9924 5.7429
## Coefficients:
## Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept) 129.787 1.403 92.52 < 2e-16 ***
## Fe
       -24.020 1.280 -18.77 1.06e-09 ***
## ---
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
## Residual standard error: 3.058 on 11 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.9697, Adjusted R-squared: 0.967
## F-statistic: 352.3 on 1 and 11 DF, p-value: 1.055e-09
```

Exemplo: Ligas de cobre e níquel

anova(modeloreduzido, modelocompleto)

```
## Analysis of Variance Table
##
## Model 1: loss ~ Fe
## Model 2: loss ~ factor(Fe) - 1
## Res.Df RSS Df Sum of Sq F Pr(>F)
## 1 11 102.850
## 2 6 11.782 5 91.069 9.2756 0.008623 **
## ---
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

Estatística do teste:

$$F^* = \frac{SQF_a/(m-2)}{SQE_p/(n-m)} = \frac{91.069/5}{11.782/6} = 9.28$$

Exemplo: Ligas de cobre e níquel

 $s_e = 1.4$ enquanto que, usando o modelo anterior, temos que s = 3.06.

Exemplo: Ligas de cobre e níquel

```
library(alr3)
pureErrorAnova(modeloreduzido)

## Analysis of Variance Table

##

## Response: loss

## Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)

## Fe 1 3293.8 3293.8 1677.4028 1.417e-08 ***

## Residuals 11 102.9 9.4

## Lack of fit 5 91.1 18.2 9.2756 0.008623 **

## Pure Error 6 11.8 2.0

## ---

## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

Como melhorar o modelo

Se nos testes e/ou gráficos de diagnóstico do modelo determinarmos que o mesmo não é adequado, o que fazer?

- Abandonar o modelo e procurar outro mais adequado: regressão logística, regressão não-paramétrica, regressão robusta...
- Aplicar alguma transformação nos dados, de maneira que a regressão linear simples fique adequada.

Leitura

- · Applied Linear Statistical Models: 3.1-3.7.
- · Caffo Regression Models for Data Science in R: Residuals.
- · Draper & Smith Applied Regression Analysis: Capítulo 2.
- · Weisberg Applied Linear Regression: Capítulo 2.
- · Faraway Linear Models with R: 8.3.

