Modele opisujące śmiertelność i ich analiza

Adrian Stańdo, Mariusz Słapek, Maciej Pawlikowski

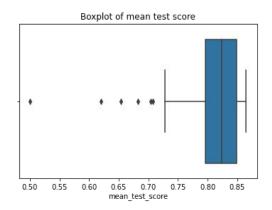
Generowanie modeli

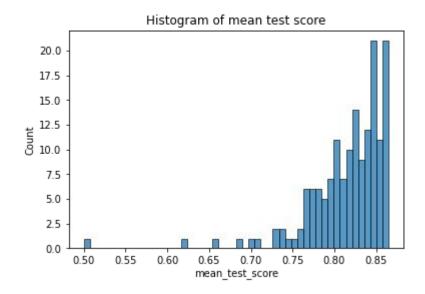
- 1. Wygenerowaliśmy modele korzystając z biblioteki XGBoost.
- 2. W sumie, wygenerowaliśmy 160 różnych modeli korzystając z RandomSeachCV.
- 3. Wykonaliśmy pięciokrotną kroswalidację oraz, w celu zapewnienia reprodukowalności, zdefiniowaliśmy wcześniej podział na zbiory. Dzięki temu, za każdym razem, gdy kod będzie wykonywany, zostaną wykorzystane te same zbiory. Ponadto, dla obiektu XGBoostClassifier ustawiliśmy ziarno.
- 4. Jak metrykę zastosowaliśmy miarę **ROC AUC**.
- 5. Wyniki wraz z hiperparametrami zapisaliśmy do pliku **results.npy**

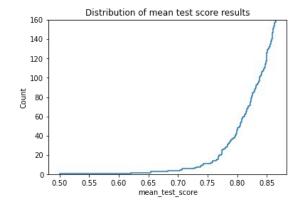
```
hyperparameters = {
    'learning_rate' : 2 ** np.linspace(-10, 0, num = 20),
    'subsample' : np.linspace(0.1, 1, num = 20),
    'booster' : ['gbtree', 'dart'],
    'max_depth' : list(range(1, 15 + 1)),
    'min_child_weight' : 2 ** np.linspace(0, 7, num = 20),
    'colsample_bytree' : np.linspace(0.001, 1, num = 20),
    'colsample_bylevel' : np.linspace(0.001, 1, num = 20),
    'lambda' : 2 ** np.linspace(-10, 10, num = 20),
    'alpha' : 2 ** np.linspace(-10, 10, num = 20),
    'n_estimators' : list(range(30, 740, 50))
}
```

Wyniki modeli

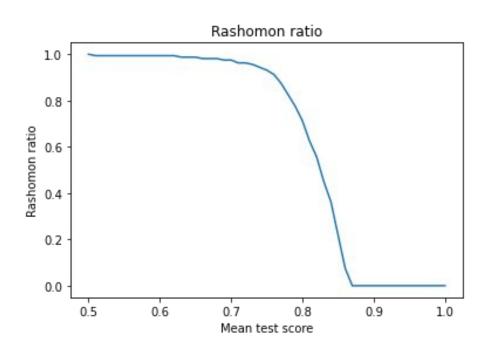
- 1. Najlepszy wynik spośród modeli: **0.865**
- 2. Najgorszy wynik spośród modeli: **0.5**





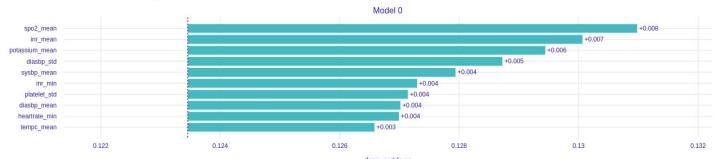


Ile modeli zalicza się do zbioru Rashomon w zależności od punktu odcięcia?



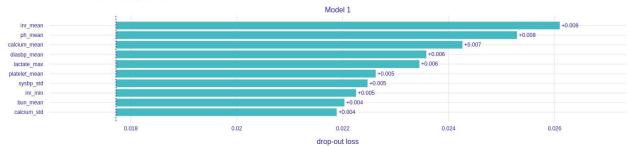






drop-out loss



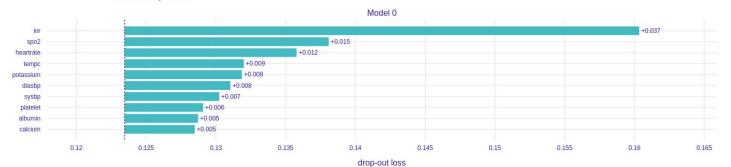


Variable Importance

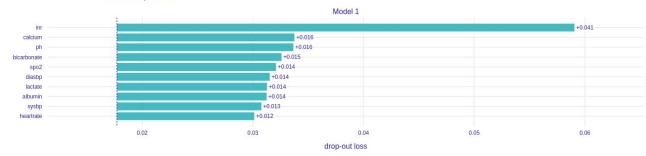








Variable Importance



Variable Importance

