

# Nie-całkiem-naiwny klasyfikator Bayesa

---

Dokumentacja końcowa

Mateusz Jamiołkowski, Michał Uziak

28 maja 2013

## Spis treści

<b>1</b>	<b>Wstęp</b>	<b>3</b>
<b>2</b>	<b>Algorytm</b>	<b>3</b>
2.1	Opis działania algorytmu tworzącego sieć bayesowską . . . . .	3
2.2	Opis konstrukcji klasyfikatora . . . . .	3
<b>3</b>	<b>Implementacja</b>	<b>4</b>
<b>4</b>	<b>Testy</b>	<b>4</b>
<b>5</b>	<b>Porównanie jakości klasyfikacji</b>	<b>5</b>
<b>6</b>	<b>Wnioski</b>	<b>5</b>

# 1 Wstęp

Celem projektu jest implementacja algorytmu budowy sieci bayesowskiej, która będzie uwzględniać zależności między atrybutami klasyfikowanych obiektów. Na podstawie tak zbudowanego modelu zostanie zaimplementowany algorytm, którego działanie zostanie porównane z dostępnymi modułami klasyfikacji języka R.

## 2 Algorytm

Na podstawie analizy dostępnych materiałów zdecydowano, że budowa sieci bayesowskiej zostanie zaimplementowana z wykorzystaniem drzew TAN (tree-augmented naive Bayesian Network).

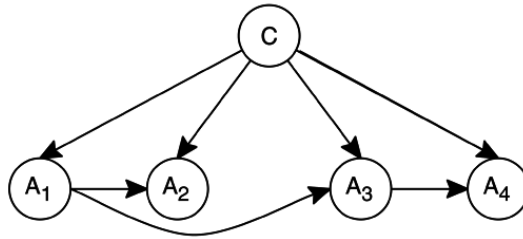
### 2.1 Opis działania algorytmu tworzącego sieć bayesowską

Opis algorytmu tworzenia drzew TAN:

1. Obliczenie informacji wzajemnej  $I_p(A_i, A_j|C)$  dla każdej pary atrybutów  $A_i, A_j$  takich, że  $i \neq j$ , gdzie  $I_p(A_i, A_j|C) = \sum_{c \in C} P(A_i, A_j, c) \log \frac{P(A_i, A_j|c)}{P(A_i|c)P(A_j|c)}$ ,  $C$  - klasa obiektu.
2. Budowa grafu zupełnego nieskierowanego, którego wierzchołkami będą atrybuty  $A_1, \dots, A_n$  natomiast waga krawędzi pomiędzy atrybutami  $A_i$  i  $A_j$  będzie równa  $I_p(A_i, A_j)$
3. Budowa minimalnego drzewa rozpinającego z wykorzystaniem algorytmu Kruskala.
4. Stworzenie drzewa skierowanego, poprzez wybór jednego wierzchołka  $A_p$ . Kierunek każdej krawędzi w drzewie zostanie tak dobrany, aby, przechodząc zgodnie z kierunkiem krawędzi, odległość od wierzchołka  $A_p$  rosła.
5. Dodanie wierzchołka  $C$  (reprezentującego klasę obiektu) do drzewa oraz utworzenie krawędzi skierowanych "od" wierzchołka  $C$  pomiędzy tym wierzchołkiem a już istniejącymi wierzchołkami  $A_1, A_2, \dots, A_n$ .

### 2.2 Opis konstrukcji klasyfikatora

Działanie klasyfikatora będzie polegało na wyborze klasy, która jest najbardziej prawdopodobna dla danego zestawu wartości atrybutów. W odróżnieniu od naiwnego klasyfikatora Bayesa, budowany klasyfikator będzie uwzględniał wzajemne zależności atrybutów. W zbudowanym drzewie krawędź wchodząca do węzła (atrybutu) oznacza zależność od innego węzła (atrybutu). Na rysunku 5.2 przedstawiono przykładowy model drzewa TAN. Zgodnie z przedstawioną zasadą łatwo zauważyć, że atrybut  $A_2$  jest zależny od atrybutu  $A_1$  oraz klasy  $C$ .



Rysunek 2.1: Przykładowy model drzewa

Klasyfikator będzie wyznaczał klasę danego obiektu zgodnie z poniższym wzorem:

$$h(x) = \arg \max_{c \in C} P(c|a_1, \dots, a_n) = \frac{P(c, a_1, a_2, \dots, a_n)}{P(a_1, a_2, \dots, a_n)} = \frac{P(c) \cdot \prod_{i=1}^n P(a_i|c, a_j)}{P(a_1, a_2, \dots, a_n)}$$

Wyrażenie  $P(a_i|c, a_j)$  odzwierciedla zależności w zbudowanym drzewie TAN - atrybut  $A_i$  jest zależny od  $A_j$

Implementacja algorytmu i powyższy opis zostały stworzone na podstawie artykułu [1]

### 3 Implementacja

W formie pakietu języka R o nazwie *notSoNaiveBayes* zostały udostępnione następujące funkcje:

- *notSoNaiveBayes* - funkcja domyślna, która na podstawie danych uczących buduje model, który jest zwracany jako obiekt języka R.
- *predict* - funkcja, która na podstawie modelu uzyskanego w wyniku działania funkcji *notSoNaiveBayes* i wektora (macierzy) atrybutów próbek przypisuje im klasę.

Dodatkowo na potrzeby implementacji zostały napisane następujące funkcje:

- *buildDirectedTree* - funkcja, która na wejściu przyjmuje graf nieskierowany zakodowany w formie macierzy sąsiedztwa oraz numer wierzchołka grafu, który ma zostać korzeniem drzewa jakie powstanie jako argument wyjściowy tej funkcji.
- *kruskal* - jest to implementacja klasycznego algorytmu Kruskala, z jedną różnicą, napisana funkcja szuka maksymalnego drzewa rozpinającego.

### 4 Testy

W celu sprawdzenia jakości zbudowanego klasyfikatora jego działanie zostało porównane z innymi algorytmami klasyfikacji dostępnymi w modułach języka R:

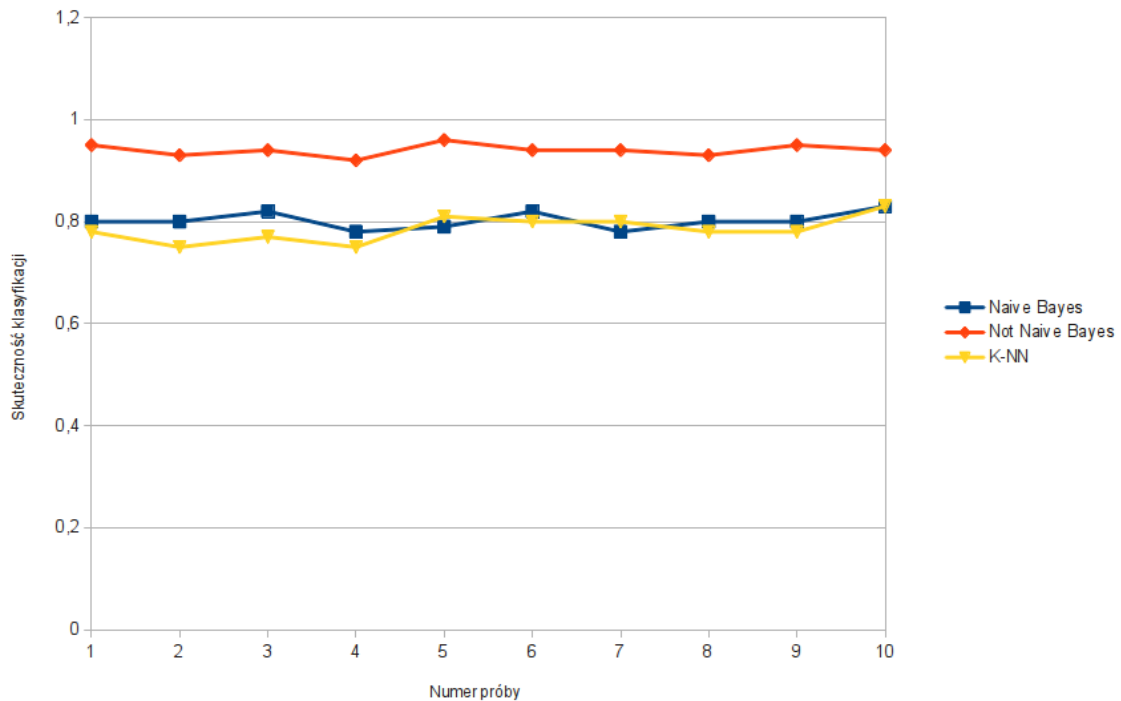
- naiwnym klasyfikatorem Bayesa - moduł

- algorytmem kNN - biblioteka RWeka [2]

Do testów zostaną wykorzystane dane należące do repozytorium Uniwersytetu Kalifornijskiego w Irvine (Machine Learning Repository, University of California, Irvine), dostępne pod adresem: <http://archive.ics.uci.edu/ml/datasets.html>.

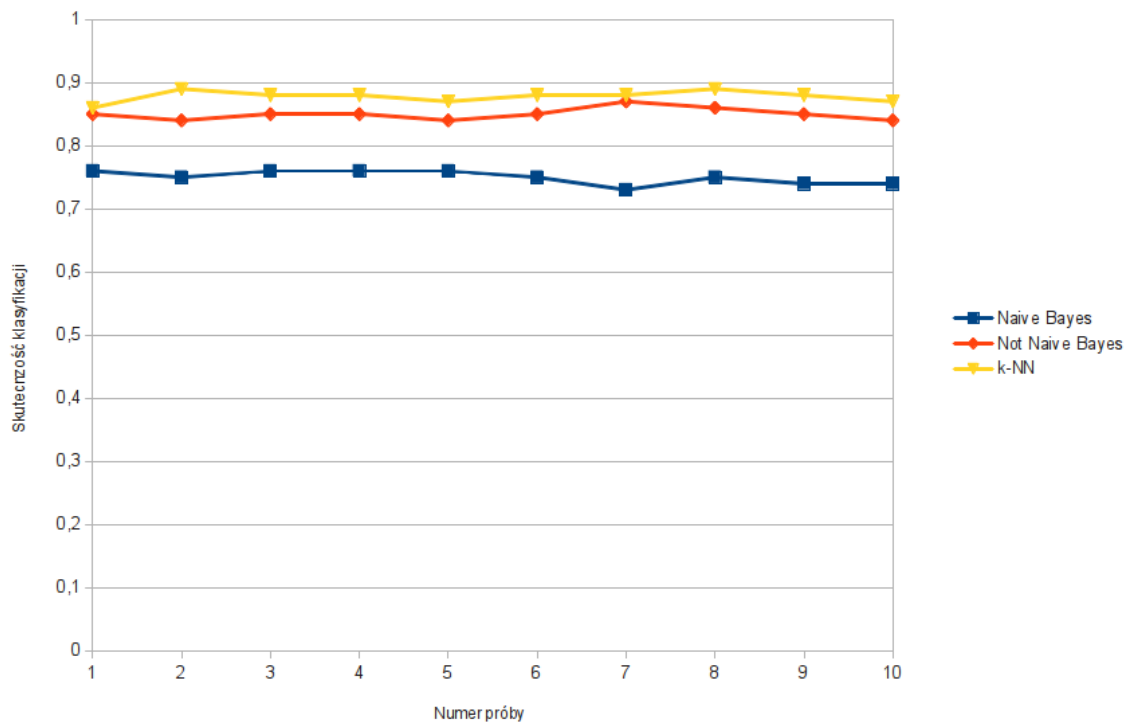
Testy zostały przeprowadzone za pomocą metody Bootstrap. Dla każdego zbioru danych rozlosowano dwie próbki - testową

## 5 Porównanie jakości klasyfikacji



Rysunek 5.1: Wyniki dla zbioru testowego car

## 6 Wnioski



Rysunek 5.2: Wyniki dla zbioru testowego nursery

## Literatura

- [1] Nir Friedman, Dan Geiger, and Moises Goldszmidt. Bayesian Network Classifiers. *Machine Learning*, (29):131–163, 1997.
- [2] Kurt Hornik. Package ‘rweka’. *RWeka documentation*, 2013.