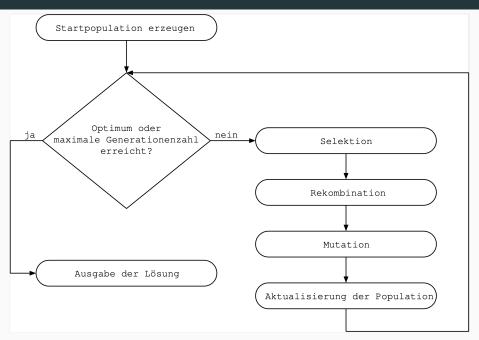
# Modellierung mit Genetischen Algorithmen

Carsten Gips (FH Bielefeld)

Unless otherwise noted, this work is licensed under CC BY-SA 4.0.

### **EA** – Allgemeiner Ablauf



#### Kodierung Individuen

- Binäre Lösungsrepräsentation (Bitstring):  $\mathbf{g} = (g_1, \dots, g_m) \in \{0, 1\}^m$ 
  - String gliedert sich in n Elemente (mit n ≤ m)
     => jedes Segment entspricht einer Problemvariablen
  - Dekodierungsfunktion  $\Gamma: \{0,1\}^m \to \mathbb{R}^n$
- Fitnessfunktion  $\Phi$  ordnet jedem Individuum  $\mathbf{g}_i$  eine reelle Zahl zu:

$$\Phi(\mathbf{g}_i) = F(\Gamma(\mathbf{g}_i)) - w \cdot \sum_i (Z_i(\Gamma(\mathbf{g}_i)))^2$$

- Zielfunktion F: wie sehr genügt ein Individuum bereits dem Optimierungproblem
- Strafterme Z<sub>j</sub>: Anreicherung der Optimierung mit weiteren Informationen
- Gewichte w: statisch oder dynamisch (Abkühlen)

## Selektion: Erstelle Matingpool mit $\mu$ Individuen

■ Fitnessproportionale Selektion (*Roulette Wheel Selection*): Auswahlwahrscheinlichkeit für Individuum **g**<sub>k</sub>:

$$ho_{sel}(\mathbf{g}_k) = rac{\Phi(\mathbf{g}_k)}{\sum_j \Phi(\mathbf{g}_j)}$$

=> Voraussetzung: positive Fitnesswerte

- Turnier-Selektion (*Tournament Selection*):
  - ullet Turniergröße  $\xi$
  - ullet Turnier: ziehe  $\xi$  Individuen gleichverteilt (mit Zurücklegen!) und kopiere fittestes Individuum in den Matingpool
  - Führe μ Turniere durch

### Crossover: Erzeuge zwei Nachkommen aus zwei Eltern

Festlegung der Crossover-Wahrscheinlichkeit  $p_{cross}$  (typisch:  $p_{cross} \geq 0.6$ )

- 1. Selektiere Eltern  $\mathbf{g}_a$  und  $\mathbf{g}_b$  gleichverteilt aus Matingpool
- 2. Zufallsexperiment:
  - mit  $1 p_{cross}$ : Kinder identisch zu Eltern (kein Crossover)
  - mit  $p_{cross}$ : Crossover mit  $\mathbf{g}_a$  und  $\mathbf{g}_b$ 
    - Ziehe i gleichverteilt mit 1 < i < m
    - Kinder aus  $\mathbf{g}_a$  und  $\mathbf{g}_b$  zusammenbauen:

$$\mathbf{g}_c = (g_{a,1}, \dots, g_{a,i}, g_{b,i+1}, \dots, g_{b,m})$$

und

$$\mathbf{g}_d = (g_{b,1}, \ldots, g_{b,i}, g_{a,i+1}, \ldots, g_{a,m})$$

3. Gehe zu Schritt 1, bis insg.  $\mu$  Nachkommen

Anmerkung: Die Eltern werden jeweils in die Ausgangsmenge zurückgelegt.

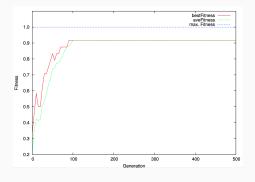
#### Mutation

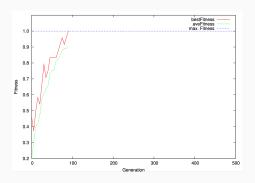
- Mutationswahrscheinlichkeit  $p_{mut}$  (typische Werte:  $p_{mut} = 0.01$  oder  $p_{mut} = 0.001$ )
- Für alle Individuen:
  - Mutiere jedes Gen eines Individuums mit p<sub>mut</sub>:

$$g_i^{(t+1)} = \left\{ egin{array}{ll} \neg g_i^{(t)} & ext{ falls } \chi_i \leq p_{mut} \ g_i^{(t)} & ext{ sonst} \end{array} 
ight.$$

 $=>\chi_i$  gleichverteilte Zufallsvariable (Intervall [0,1]), für jedes Bit  $g_i$  neu bestimmen

## Typische Läufe





- ullet Populationsgröße  $\mu=15$
- Anzahl Nachfahren  $\lambda = 100$
- Abbruch nach *maxGen* = 200 Generationen

#### Wrap-Up

Lokale Suchverfahren: Nur das Ergebnis zählt!

- Evolutionäre Algorithmen:
  - Begriffe: Individuum, Population, Kodierung
  - Operationen: Selektion, Rekombination, Mutation
  - Bewertung mit Fitnessfunktion

#### **LICENSE**



Unless otherwise noted, this work is licensed under CC BY-SA 4.0.