15 Klasyfikacja

15.1 Przykład

Przykład. Zbiór danych iris zawiera informacje na temat czterech cech trzech gatunków irysa.

```
head(iris)
    Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
##
             5.1
                                      1.4
## 1
                         3.5
                                                  0.2 setosa
## 2
             4.9
                         3.0
                                     1.4
                                                  0.2 setosa
## 3
             4.7
                         3.2
                                      1.3
                                                  0.2 setosa
                                                  0.2 setosa
## 4
             4.6
                        3.1
                                      1.5
             5.0
## 5
                        3.6
                                      1.4
                                                  0.2 setosa
             5.4
                                      1.7
                                                  0.4 setosa
## 6
                         3.9
dim(iris)
## [1] 150
            5
table(iris$Species)
##
##
      setosa versicolor virginica
```

Na przykładzie tego zbioru danych przedstawimy liniową analizę dyskryminacyjną (LDA).

50

model liniowej analizy dyskryminacyjnej w R

50

##

50

```
library(MASS)
(model_lda <- lda(Species ~ ., data = iris))</pre>
## Call:
## lda(Species ~ ., data = iris)
##
## Prior probabilities of groups:
       setosa versicolor virginica
##
   0.3333333 0.3333333 0.3333333
##
##
## Group means:
##
              Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width
## setosa
                     5.006
                                  3.428
                                               1.462
                                                            0.246
## versicolor
                    5.936
                                  2.770
                                               4.260
                                                            1.326
## virginica
                     6.588
                                  2.974
                                               5.552
                                                            2.026
##
## Coefficients of linear discriminants:
##
                       LD1
                                    LD2
## Sepal.Length 0.8293776 0.02410215
## Sepal.Width 1.5344731 2.16452123
## Petal.Length -2.2012117 -0.93192121
## Petal.Width -2.8104603 2.83918785
##
## Proportion of trace:
      LD1
             LD2
##
## 0.9912 0.0088
# Lub
# model_lda <- lda(iris[, 1:4], grouping = iris$Species)</pre>

    tablica kontyngencji
```

head(predict(model_lda)\$posterior)

```
##
     setosa
            versicolor
                          virginica
## 1
          1 3.896358e-22 2.611168e-42
## 2
          1 7.217970e-18 5.042143e-37
          1 1.463849e-19 4.675932e-39
## 3
          1 1.268536e-16 3.566610e-35
## 4
## 5
          1 1.637387e-22 1.082605e-42
          1 3.883282e-21 4.566540e-40
## 6
head(predict(model_lda)$class)
## [1] setosa setosa setosa setosa setosa
## Levels: setosa versicolor virginica
(conf_matrix <- table(predict(model_lda)$class, iris$Species))</pre>
##
                setosa versicolor virginica
##
                    50
                                          0
##
     setosa
                                0
    versicolor
##
                              48
                                           1
    virginica
                                2
                                          49
##
                     0

    błąd klasyfikacji metodą ponownego podstawiania
```

```
(1 - sum(diag(conf_matrix)) / nrow(iris))
## [1] 0.02
```

ullet błąd klasyfikacji metodą sprawdzania krzyżowego z v=1 (1-CV, LOO, ang. *leave one* out)

```
pred_loo <- numeric(nrow(iris))</pre>
for (i in 1:nrow(iris)) {
  model_lda_i <- lda(Species ~ ., data = iris[-i, ])</pre>
  pred_loo[i] <- predict(model_lda_i, iris[i, ])$class</pre>
table(iris$Species, pred_loo)
               pred_loo
##
##
                  1 2 3
##
     setosa
                50 0 0
     versicolor 0 48 2
##
##
     virginica 0 1 49
(1 - sum(diag(table(iris$Species, pred_loo))) / nrow(iris))
## [1] 0.02

    predykcja

new_data <- data.frame(Sepal.Length = 5.1,</pre>
                        Sepal.Width = 3.5,
                        Petal.Length = 1.3,
                        Petal.Width = 0.3)
predict(model_lda, new_data)
```

```
## $class
## [1] setosa
## Levels: setosa versicolor virginica
##
## $posterior
     setosa
            versicolor virginica
##
## 1
          1 4.850575e-22 6.605032e-42
##
## $x
          LD1
                    LD2
##
## 1 8.000875 0.6775315
```

15.2 Zadania

Zadanie 1. Kontynuujemy przykład dotyczący zbioru danych iris .

1. Wyznacz błąd klasyfikacji liniowej analizy dyskryminacyjnej metodą sprawdzania krzyżowego z v=10 (10-CV).

```
## [1] 0.02
```

- 2. Błąd klasyfikacji można oszacować również następującą metodą bootstrapową.
 - Przyjmijmy, że zbiór danych ma n obserwacji.
 - \circ Krok 1. Losujemy ze zwracaniem n obserwacji ze zbioru danych tworzących próbę bootstrapową.
 - Krok 2. Konstruujemy klasyfikator na bazie próby bootstrapowej.
 - Krok 3. Liczymy błąd klasyfikatora wyznaczonego w kroku 2 dla obserwacji, które nie znalazły się w próbie bootstrapowej.
 - o Krok 4. Powtarzamy kroki 1-3 n_boot razy, otrzymując błędy b_1, \dots, b_{n_boot} .
 - Krok 5. Obliczamy błąd klasyfikacji metodą bootstrapową według wzoru

$$\frac{1}{n_boot} \sum_{i=1}^{n_boot} b_i.$$

Wyznacz błąd klasyfikacji liniowej analizy dyskryminacyjnej metodą bootstrapową. Przyjmij n_boot = 100 .

Zadanie 2. W pliku wina.txt zawarto informację o trzynastu cechach różnych gatunków win. Co więcej obserwacje podzielone są na trzy grupy.

...

1. Jaki jest wymiar tych danych? Jakie są etykiety klas i ich liczebności?

```
## [1] 178 14
```

##

1 2 3

59 71 48

2. Wykonaj liniową analizę dyskryminacyjną bazując na trzech pierwszych zmiennych w tym zbiorze danych.

```
## 1 2 3
## 0.3314607 0.3988764 0.2696629
```

```
## V1 V2 V3
## 1 13.74475 2.010678 2.455593
## 2 12.27873 1.932676 2.244789
## 3 13.15375 3.333750 2.437083
```

```
## LD1 LD2

## V1 -1.8725417 -0.2943580

## V2 -0.0862327 1.0473192

## V3 -1.4493443 0.1419408
```

3. Wyznacz oceny prawdopodobieństw a posteriori i przewidywaną przynależność do klas obserwacji oraz tablicę kontyngencji otrzymanego klasyfikatora.

```
## 1 0.9705550 0.0006735689 0.02877140
## 2 0.3933512 0.3924750849 0.21417373
## 3 0.5316537 0.0682685490 0.40007778
## 4 0.9723331 0.0002235964 0.02744332
## 5 0.5798070 0.0197639349 0.40042907
## 6 0.9668517 0.0007345077 0.03241381
## [1] 1 1 1 1 1 1
## Levels: 1 2 3
```

4. Wyznacz błąd klasyfikacji metodą ponownego podstawiania.

```
## [1] 0.1797753
```

5. Wyznacz błąd klasyfikacji metodą sprawdzania krzyżowego z v=1.

```
## pred_loo
## 1 2 3
## 1 49 5 5
## 2 5 61 5
## 3 10 8 30
```

6. Wyznacz błąd klasyfikacji metodą sprawdzania krzyżowego z v=10.

7. Wyznacz błąd klasyfikacji metodą bootstrapową. Przyjmij n_boot = 100 .

8. Do których klas i z jakimi prawdopodobieństwami a posteriori należy zaklasyfikować poniższe nowe obserwacje?

V1	V2	V3
13.64	3.10	2.56
13.94	1.73	2.27
13.08	3.90	2.36
12.29	3.17	2.21

```
## $class
## [1] 1 1 3 2
## Levels: 1 2 3
##
## $posterior
                 2
          1
## 1 0.531302523 0.007133455 0.46156402
## 2 0.924346812 0.007006399 0.06864679
## 3 0.061216479 0.054434582 0.88434894
## 4 0.005015639 0.810915785 0.18406858
##
## $x
##
    LD1 LD2
## 1 -1.5435449 0.6390430
## 2 -1.5668588 -0.9252545
```

3 -0.2740389 1.6133507 ## 4 1.4856206 1.0600594