バイオインフォマティクスの基礎 2

慶應義塾大学冨田研究室

平成21年5月4日

目 次

第1章	ベイズの定理	ŀ
1.1	はじめに	ŀ
1.2	タンパク質間相互作用予測への応用例・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	ļ

第1章 ベイズの定理

2007/5/9 斎藤輪太郎

1.1 はじめに

本章では、ベイズの定理を用いた応用について述べます。

1.2 タンパク質間相互作用予測への応用例

それではベイズの定理を応用して、タンパク質間相互作用の予測をしてみましょう。I をタンパク質間相互作用を表す記号とします。I=P なら相互作用するという事実を、 $I=\neg P$ なら相互作用しないという事実を表します。また、P(I=P) は与えられたタンパク質の組が相互作用する確率を表します。P(I=P) と $P(I=\neg P)$ をまとめて、P(I) と表します。

次に E_1, E_2, E_3, \cdots で相互作用予測の根拠となる事象を表します。例えば E_1 が遺伝子発現相関を表すとすれば、 $E_1=0.7$ は遺伝子発現相関が 0.7 であるという事象を表し、 $P(0.7 \le E_1 < 0.8)$ は遺伝子発現相関が 0.7 以上 0.8 未満となる確率を表します。 E_1 に設定可能な条件式は様々で、それに対する確率も様々になります。それらの確率をまとめて、 $P(E_1)$ と表します。

$$P(I|E) = P(E|I)P(I)/P(E)$$
(1.1)

このとき、 $P({
m I}={
m G}_{
m P}|{
m E})$ では正しい計算になりません。何故なら、 ${
m G}_{
m P}$ 以外にも ${
m PPI}$ はたくさん あるからです。

また評価するためには、正解率を出さなければならない。すなわち G_P だけでなく、 G_N も必要となる。リスクを最低にすることを考えると、ベイズ判別を用いて、

$$\frac{P(\mathbf{I}|\mathbf{E})}{P(\neg \mathbf{I}|\mathbf{E})} = \frac{P(\mathbf{E}|\mathbf{I})P(\mathbf{I})}{P(\mathbf{E}|\neg \mathbf{I})P(\neg \mathbf{I})}$$
(1.2)

但しP(E|P = I) は $P(E|G_P)$ で、 $P(E|\neg P)$ は $P(E|G_N)$ で代用。