Pathway	Gene ranks	NES	pval	padj
PKD2		2.17	1.0e-06	2.0e-05
ZEB1	The same of the sa	2.74	1.0e-06	2.0e-05
SFMBT2		1.83	1.0e-06	2.0e-05
CAVIN1		2.67	1.0e-06	2.0e-05
VGLL3		2.68	1.1e-06	2.0e-05
ZEB2	**************************************	2.55	1.1e-06	2.0e-05
TCF4	The second secon	2.64	1.1e-06	2.0e-05
DDR2		2.95	1.1e-06	2.0e-05
FLNA	The second section of the second section of the second sec	2.20	1.1e-06	2.0e-05
GAS7	The second secon	2.60	1.1e-06	2.0e-05
SPHK1	Manager 1	2.35	1.1e-06	2.0e-05
DNAJB5		2.62	1.1e-06	2.0e-05
AEBP1	0.00	3.07	1.1e-06	2.0e-05
SPI1	W 11 111	2.88	1.1e-06	2.0e-05
CAV1		2.31	1.1e-06	2.0e-05
ICAM1		2.07	1.1e-06	2.0e-05
CD4		2.62	1.1e-06	2.0e-05
MAFB	O OF THE RESIDENCE	2.44	1.1e-06	2.0e-05
FLI1		2.49	1.1e-06	2.0e-05
PRKCB		2.49	1.1e-06	2.0e-05
FANCD2	I de la company	-2.21	4.8e-06	5.5e-05
ABHD14B	*** *** *** *** *** *** *** *** *** **	-2.37	4.8e-06	5.5e-05
MCPH1	The second secon	-2.02	4.7e-06	5.5e-05
AHI1	To the second of	-2.44	4.7e-06	5.5e-05
CENPF	The second of th	-2.12	4.7e-06	5.5e-05
GTF2IRD2B	II no access and a commentation of the comment	-2.10	4.7e-06	5.5e-05
HIST1H2AL	T	-2.34	4.4e-06	5.2e-05
ZNF224		-2.37	4.1e-06	4.9e-05
HESX1	The state of the s	-2.30	4.0e-06	4.8e-05
HIST1H3D		-2.27	4.0e-06	4.8e-05
HIST1H2AD		-2.32	3.9e-06	4.7e-05
ZNF589	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	-2.19	3.9e-06	4.7e-05
TBX10	1-1	-2.42	3.8e-06	4.6e-05
IL17A		-2.23	3.7e-06	4.5e-05
SCX	1	-2.49	3.6e-06	4.4e-05
HIST1H4A	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	-2.10	3.5e-06	4.4e-05
CDK11A	The state of the s	-2.25	3.5e-06	4.3e-05
EGF	to the second of	-2.13	3.4e-06	4.2e-05
HIST1H2AJ	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	-2.24	3.3e-06	4.1e-05
USP2	The second secon	-2.18	3.2e-06	4.1e-05
	0 5000 10000 15000 20000			