

[illegible][illegible][illegible]

AGACAAGCACAGAGAAACGTTACTCCCTCTTATGTTTTAAGTATAAAGACATAAACGTTT
TGGAAGAGAAGAGAGAAACTGATTTACTATATTGATAGTTCGGATCCTTATATTGATGAA
GCCATGTTTAAACGAATTCTATATGAGTCAGAGCATCAGTGCATCAATTCACAGAGCAGA
AAAAGTTCCTCCGTTTTTGCTTTGAAGATTCTTCTCAAGTTCCATCTTCTCTTCTG
GGTTTACATAGTTCGTGAATCACAGACTGTGATCAGTGGCAACGAACACAGAGAACAAA
GATGCATTAAAAGACAAATTTATTCATTGTTTTGTATTGATAGTTCATATGTAATTGATT
AAAGAAGAAATATGCGTAAGAGAAGACTAAAGAGTACATTTGGCTAAACCTTTTTTAAA
AGTCCCACATCGACAAGCTAGGGATCGTTGGTCATAAGCTTTGTAGTATAAATAAGAAGC
TGAGCCATTGTTCTAATCATACCTTTCTCGGCCTTTGGCTAAGATCAAGTGTAGTATC
TGTTCTTATCAGTTTAATACTGATATGTGGGCCATCGGCTCACACGATTAATACTCTAT

ATACGTTACAGCATCTGCAATCTCCTTAGCGATCTTCAATCTTACACTCCAAGCCAATGG
CTTGATTACCTCCCCGCACCTCCTATATAGGCAAGAGCTCCCTTTTCTGGGTATTACA
CACGAGAACCGGACGAGGAAACTCTAGACAACACCCCAAGAGCTTGAGAACATTCTTAIG
GCTGCTCATCATCGATGAAACCGCAATATCACGGTAAAAGTTGTCAGGGTCAAAGTAAAA
GGGTTACCTTTTATAGTACTTGATCAGCACGGCTCTGTTTTCAATCGTACCTTTGTACCA
CACGAATCTGTCTACACCGATTGCATAGCTCCAGTCGAAGTTGTTTGTAGCTTCAAGGAT
TTGGTGAGAAGAAAACGTACGGATGGGATTGATTTACCTCCTGACGATGCAATGAGTAA
AGTCCCACATCGACAAGTTAGAGAGCCGTGGTCATAAGCATTGTAGTATAAATAAGAAGC
TCCGCCATCGTCAAATCATACCTTTTCTCGGCCTTTTGGCTAAGATCAAGTGTAGTATC
TGTTCTTATCAGTTTAATAICTGATATGTGGGCCATCGGCCACACGATATTAACCTCTAT

AATATCTAGTGACAAGTTTGGTGATCACAAACGGCTGATAAATTATCGAAGATTGAAGTT
GAAAGTTGAGTCGATTCTTTCTTGAGCCGGTTTTGATTTAGATTAGTTTGGGCACAGCT
ACAGCTACATGTAAGGCGGTGAAATCGAACGGCCTAAAATTGAGAACGCAACAAGTGATC
ATGTCTACTCCAGTTATTCTTGATTTTGTTTATTCTCTTTTTTTTTTTTGTCAAAGTATC
TTGAGCCGTTTTCTCGGATTTTATTGACTCGCTCTTCTTTCTTGCTATCCAAAAA
GGTTAAAAGAAGTTGGAAGCTGTTTGCTTCAGGTTTTAAGCATCATCAATCAGGCG
TGTTACGAACCCCGCTAAAAGAGAAAGAGGGTTATAGTTATTAGTTTCACTCGTTCGCG
AAGTCCCACATCGCTAAGAAAAAGAACGTGAAAGAAAAAACGAGTGGTATAAAGTACGAGG

[illegible]

AAAATAACTATTTTAGAAAACCTTATTGAAGAAGACGTAAACTATATATAGCTGATTATTA
CCTATTCAACAAATCCCTCTTTTTAAACCTATTCAAAGCCAAGGACAAGAAAAA
AGAGTCGCCCATTCTTCTCATTCTTTTTTTTGTCTTGACGAAGAAACCAAAAAA
>EP11001 (+) Dc extensin P1; range -499 to 100.
NN
NNNNNGAATTCATTATTGACAGACTCAAAGTTAGATTAGAGTACTAATTTGGCCTTGTTT
ATCTCTGATATAAAACCGTTACTAAATGAACATTAAGTGATACGCTAAGCATGCCCT
ATGCCCTATGTATCGATTTTATAATTGATTTTTTTTTTATTGACGTAATAGAAATTTA
GGTTAGAATAAAAGGTCAATACGAATAAACAACTAGAAAAGGGAAAATAATTATTA
ATTTTTCTAGAAATCGTATGTTAAAAATCTCCACACACTTCATGTGTTATATATCGTGTG
TGTGAATGCAGTAGCAAAACATTACTAGATAGTTCAATTAGCTTGACAGGCCACTGAAAA
AAAACACAATTAGAAACACCGACTCTGAAAAGTAAAAATTATACAATGAAAATACGACAA
GTCATTTGACATTTCAAACGAATGATGTTAATATCATGATCCAAATTCATTCTTTTTT
CTTTCTTTCTTTTGACAGAGATCCAAATTCATTCTGATAATACATGTTTAGATATAGT
>EP11002 (+) Dc extensin P2+; range -499 to 100.
GGGAAAATAATTATTAATTTTTCTAGAAATCGTATGTTAAAAATCTCCACACACTTCATG
TGTTATATATCGTGTGTGTAATGCAGTAGCAAAACATTACTAGATAGTTCAATTAGCTT
GCAGGCCACTGAAAAAACAACAATTAGAAACACCGACTCTGAAAAGTAAAAATTATAC
AATGAAAATACGACAAGTCATTTGACATTTCAAACGAATGATGTTAATATCATGATCCAA
ATTCTCATTCTTTTTCTTTCTTTCTTTTGACAGAGATCCAAATTCATTCTGATAATA
CATGTTTAGATATAGTTGTTGACTTGTTGGCCTCTGCAGAGGGAAAAAAGAAAGAAAAA
AAATAAAGAAAGAGAGTTGTTGGCTTCTCAAATATTTATATATTTAAGTAACATTTT
GTACCGATTATTGAAATCATCTGTACGGTGAGTAGATCACCAAGGCTATAAATAGAGGG
CCAGTTTTAGTTGAAAGCATAACACAACAAGCCTTTTGGTTGTAGTAAACATGGGAAGAA
TTGCTAGAGGCTCAAAAATGAGTTCTCTCATTGTGTCTTTGCTTGTAGTATTGGTGTAC
>EP25013 (+) Ph GRP1; range -499 to 100.
CACATAGAGCCTGTTTGGGTGGGCTTTTAAAGGAGCTTTTTTAAAGTGGCTTTAAGTCAC
TTATGACTTAAAGTCTAAAAAAATTAAGTTACCAAACATATATTAATGGGCTTATAAG
CTTATAAGTCACTTTTAAACCCACCCAAACAGGCTCATAATAAAGATGATGGCCATTGG
CCATTGCCATTGCATAAAAGCAATATTATTGGTTAGTGTGCGTAGTGTGGATCAGCGTT
GACTGAGTACTTTCGATCCAAAAAAGAAAAGACTATAGATACAGATATATCATC
CATTTGACTTCGACGACCAATAGGGTCATTTATTGTTCCCGCCAGTTCCCCAACGGTTC
AAACGCGTCCAATTATAACCATGTCAGCTTTGCACATTGTTGGCATTAAATAGCTTCA
GCTGACATACTACCTTAACTTGTCAACTTGGCTGATCGACTAACCTATATAAATTCAG
AAACTCTGAGCGAGGAAGAGCACAAGCAAAAAGATCATATCTGAGAACCTTTTGTGATCA
TAATCATGGGTCTTCTCAAAAGTGGGTATTGGGTACTTCTTTCTCGAGCATTTTCT
>EP25012 (+) Pv GRP 1.8; range -499 to 100.
NN
NNNNNNNNNNNNNTTAAACAAATTTATAAAAAAGAGGTATGTTTGCAGTTGCACCCGATGA
TAGTGGTGGCAATAAGAAAAAAGGGAAGACAGAAGGAAGAAGATTGAGAAAGTAA
AATGCAGTGCAAAATGGTGGTGAGTGGGAGGTAGAAAAGAGGGATAGGTAGGTATGAAAA
AGAAAAGAAAAAGCGTAGGTTTGTGGAGTAGCTAGTGTATTTGTATGGGTACTGCATG
CTCCGTTGGATGTGGAAGACAGCAGAAGCACACAATGAAGCTCCAGTATGAGTGGTTTCA
GTGTATCTTTGTATGTTAACATAATGGGCCACACTGTGGGCGATCCAACTTTTATATCCA
TGAGCTTCAACCACTCTTTGCTCTCAACGAGCCTTCCCAATCCCTATAAATACCTTCAA
GTCTCCTCACTTCAAAACCAACCTATTTAGCTTCACTTCACTCTCATGGCTACTATTCA
CAGGCTTCCAGTCTAGTTTTCTTAGTACTATTGGCTCTAGGTGTATGTTCTGCTAGAAG
>EP25011 (+) Nt GRP-8; range -499 to 100.
ATATTCACAGTTTACAATGTATTTAAAGATTAGCAATTTTCGCTCAAATTCAGGACATGG
CGTCTAGAGTTTAAACCTCAAAGTTTAAACTTCAAGATATCGTATCCTAAAGTTTCAAAA
ATTGTGTGTCCAGAAGTTTATGTCCTAAATTTTAAATTAATAGTTAAAAAATTCATGACA
CTTAATCCTAAATTTCAAATTACCATCTCAAAATTCATGACACTTAGTCCAGAATTTTG
GATGAATTAGCTCATCTTTTACACATTATAAATTGTAATATATTTTAAATAGCGAGCT
TAAAAGTGACTATTGCTGCACCTGGTCAGACTTCACGTTCACTCTTTTACTGCCACTTG
TAGGCCGGGTTTCTCGTGTCTTTGGTCCACACAATAATGTACATTTTCCCTCATACCTC
CAAGTAGTACCATTCCCTTCAATTATTTATGCATTCAAATCATACTATAAAGAGAACCCA
AGAGTACATCAGTTTCTTCATCCCTTAATTTTATAAGCATCATACTAACTTTGAACAA
AAAAAGAAAACATGGGTTCTAAGGCATTTCTGTTTCTTGGCCTTTGTTTGGCTTTTTTT
>EP07003 (+) Zm zein zA1_A; range -499 to 100.
TCAACTGGGCACATTTAGATATAATCATTCTAATTATGGTCATCCTGAGTGTGTGCATTC
ATCTATGCATTTAGGATTTAGTGTAGTCTCAGTCTTGTAGTATTTGTTCTTCTTGTGTC
AAATCACTTCTCATCTAACTACTATGCTTGTTTAACCATCAGAACATAACTACAACAATA
TCCATTTATAAAGGCTTCGATAGCAAATTTACATATTCATATCATGTTAAGGTTGTAC
ATGTGTAAAGGTGAAGAGATCTTGCATGTCATTCCACGTAGATAAAAAAGAAATGCCTATAT
AAAATGGCACATTTCTTGTAGGTAGTGAAAGTATCTTTCCAGCAAAGACCATATAATC

CGATAAAGGTGATAACTAAATGTTGAAATCGAGTAGATGCCATATCATCTATACCTTATC
TGTTGTTTTGGAAAAAAGACAAATCCAAAAAATTTATATGAGATCTCACCTATATAAAT
AGCGCCCAAATCAGTAGTTAATCCATCACCCATAATACTTTGAGCATTAGAAACACACC
AAGCGAAGCGCACTAGCAACGACCAACAATGGCTACCAAGATATTAGCCCTCCTTG
>EP58002 (-) Zm zein zA1_B; range -499 to 100.

CGCCAATTGCCACATTTAGATATAATCATTCTAATTTTGGTCGTCCTATGTGTGTGCATT
CATCTATGCATTCTAGGATTTCAATTAGTTTCAATCTTGTAGTATTGGTTCTTCATTGT
CAAATCACTTCTCATCTAACTACTATGCTTGTTAACCATCAGAACATAACTACAACAAT
ATCCATTTATAAACGTTTTGATAGCAAACCTTACATATTCATATCATGTTAAGGTTGTCA
CATGTGTAAAGGTGAAGAGATCATGCATGTCATTCCACGTAGATGAAAAGAATTCCTATA
TAAATGACACCTTTTCTTGTAGGTAGTGGAAAGTATCTTTCCAGCAAATACCATATAAT
CCGATAAAGCGGATAACTAAATGTGAAATCGAGTAGATGCCATATCATCTATACCTTAT
CTGTTGTTTTGGAAAAAAGACAAAATCCAAAAAATATATTTGAGACCTCACCTGTATAAAT
AGCTCCCAAATCAGTAGTTAATCCATCACCCATAATATTTTGGAGCATTAGAAACACACC
AAGCGAAGTACCTAGCAACGACTTAACAACAATGGCTACCAAGATATTAGCCCTCCTTGC
>EP58003 (-) Zm zein zA1_C; range -499 to 100.

CAATTGCCACATTTAGATATAAGCATCTAATTTTGGTCATCCTATGTGTGTGCATTCA
CTAAGCATTCTAGGATTTCAATTAGTCTATATCTTGTAGTATTTGTTCTTCATTGTCAA
TTCACTTCTCATCTAACTACTATGATTGTTTAACAGTAGAACATAACTACGACAATATC
CATTTATAAAGACTTTGATAGCAAACCTTTACATATTCATATCATGTTAAGGTTGTCACAT
GTGTAAAGGTGAAGAGATCATGCATGTCATTCCACGTAGATGAAAAAATTCCTATATAAA
AATGACACCTTTTCTTGTAGGTAGTGGAAAGTACCTTTCCAGCAAAGATCATATATATAA
TCCGATAAAGCTGAAAACCTAAATGTCGAAATCGAGTAGATGCCATATCATCTATACCTTA
TCTCTTGTGTTTTGGAAAAAAGACAAAACCAAAAAATATTTATGAGGTCTCACTTGTATAAAT
AGCTCCCAAATCAGTAGTTAATCCATCACCTATAATATTTTGGAGCATTAGAAACACACC
AAGCGAAGCACATTAGCAACAACCTAACAACAATGGCTACCAAGATATTATCCCTCCTTG
>EP07004 (-) Zm zein 19K; range -499 to 100.

TAAATCACATGTGCACCTTTCTATTGACATCAAAAAAATAGTATCAACTTTCTAGATTAA
AATGCAACTAAAAGTACCTAAATTTCTATCGGTGGGGATTGAGTGATTCTTTAAACCGAT
TATTACATAAGTTAACCACACTAAAATTAACATTGGTGAATTGTGCCATGATTTTTTCT
AGTGCAAAATAGCCAAACCAAGCAACACATATGTGGCTATCGTTACACATGTGTAAAGGT
ATTGCATCACACCATTTGTCACCCATGTATTTGGACAATACCGAGAGGAAAACCCACTTAT
TTATTGTATTTTATCAAGTTTGTCTTGTACGTATAAATTATAACCCAACAAAGTAGTC
ACTAAATGTCAAAACCAACTAGATACCATGTCTCTACCTTATCTTACTAATGTTCTT
TTTGCAAAATCCAAAATTAATCTTGCAACAAGCACAAGGACTGATATGTGTATAAATATCT
CTTAGATTAGTAGTTAATACATCGCACATATTATTGAGACCAACTAGCAACATAGAAAGC
ACAATAGTGTAACCAACAATGGCAGCCAAAATATTTTGTCTTCTTATGCTCCTTGGTCTTT
>EP16002 (+) Zm zein 15K; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNGGATCCAAGGCATCCTAACAACTAGCACAACTTACAA
CAAAATATTGGTGATATGTGCCATAAAGGTGATGAGTCATGGTGATGTGTAAAGAG
GCATTACAAAGTTAGCTTCACAAGCGTATGAATTCATTGACAACCTTGACATGTAAAGT
TGATTCATATGTATAAGAAAGCTTAATGATCTATCTGTACATCCAAATCCATGTACTATG
TTTCCACGTCATGCAACGCAACATTCCAAAACCATGGATCATCTATAAATGGCTAGCTCC
CACATATGAACTAGTCTCTATCATCATCAATCCAGATCAGCAAAGCGGCAGTGCGTAGA
GAGGATCGTCGAACAGAACAGCATGAAGATGGTCATCGTTCTCGTCGTGTGCCTGGCTCT
>EP58009 (+) Zm zein pML1 21K P1+; range -499 to 100.

CAATTGCCACATTTAGATATAATCATTCTAATTTTGGTCATCCTATGTGTGTGCATTCA
CTATGCATTCTAGGATTTCAATTAGTCTCAATCTTGTAGTATTTTTTCTTCATTGTCAA
ATCACTTCTCATCTACTACTATGCTTGTAAACCATTAGACATAGACACATCATTAGAGTT
TGTGCAACTTACAATATCATGTTAAGGTTGTCACATGTGTAAAGGTGAAGCGATCATGCA
TGTCATTCCACATAGATTAATAAAAAATCCTATATAAATGACAATTTTTCTTGTAGGTAG
TGGAAAGTATCTTTCCAGCAAAGACTATATATATAATCCGTAAAGCCGATAACAAAAAGT
CAAAATCGAGTAGATGCCATACCATCTATACCTTATCTGTTGTTTGGAAAAAAGACAAAA
TCCAAAAAATATATATGAGTCTCCTGTATAAGCACACAAATTTTGGTATGTATGTCCAA
TCGTGTATCCATCACCTATAATATTTTGGAGCATTAGAAACACACCTAGGGAAGCGCACT
AGCAACGACCTAACAACAATGGCTACCAAGATATTATCCCTCCTGCGCTCTGCCTTTGTG
>EP58013 (+) Zm zein pML1 21K P2; range -499 to 100.

ATGCTCTCATGGCTTCGGTGTGTTGGAACGCTCGTACGTCCGGTCTGCGTGCATCTCTC
TCTCCTGGCTGGAGGCGTGGTGTGGCGGCTTGTCTGTGTTTTCTTTTTACGGCGG
CTTCTCGTGTGGCTAGTGTGGCGTCAGGGGCCCGTCAGCTATGCTCCCTCAGTTTTA
TAGGCAGTGCACCATAGCAGGCAGAGCAGAGATAAAGATTCCAATGCATCCATCTACAA
ACAAGGCTCTCGGCAGAAGGGATAAAGCATGGAGCGCAATTGTGCTGCCCTGCTGCAG

CCTTGACTCTCGTCAATTGGATGACCAAAAGATGCCACCGTCTAAGCTCTTTTCTATGTT
CAGCTGCCTGTTTGTACCAACACAAAATAGTAGGTGCCCTGTTTGACACCAATTATTCTC
TACCACAAAGAACTACAATAGTGATGGAGGATCCGATCCGGCACAGATCCACTATAATGC
ATATTGGGTGATGCATGCCTAATGGTGGTTGTTTAGTGTTAAGTTTGGGCATGTTGGAAC
TAAGCAATTGACGATGCCATACACTAGAAGTGAAGAATGTTGTTAGCGTTAGGAGTTGAG
>EP58007 (-) Zm zein 19K C P2; range -499 to 100.

CCACCAAAACCCCTATATATCAAAGAGTAGTGCATTTGAATTTGTCTAATATGTAGTTTA
TGGGCTTGGCTCATTTAAAGTATTTAATAATTCTGAAAGACAAGATTAACTTACTATGT
ATGATCCTTTAGCACTGTACAGATGGTTCGATGGGATAGTTACATGGTTTATATAGATGTA
CCTATCTATATTCCTTAAGTGGTTGAGAAAAAGGTAAAGGTGTGTCACTCACGCCTGC
GACGCCAACGCCGAGTCGAGGCATGGCGTTGCAAGGTGAGGCATGGCATGGTGCAACACG
ATCGCAGTCATGGTCGTGGCAGAGTGTAGCATTGTTGTGGATAGATAAAATAAACTATTGT
TGTAAGTTTGGAGCGCATGAGTTTTTGAATGCAACACTAGAATTTTCACAATTTAACTTAAT
TAAGAAGTTATATCTTGATGACATAGAGTTACCTGACCATTGATCTCGCATGCCCTTTTA
GCTCTCTCGTTCTTAGTCTCACCTGACTATTTAGGTCTCCTGACTCGCCAATATAAAC
ACCATCCTATCATTTGCTCTCGAATACTTCTGTGTCACTCACTGTCAGATGAGTAC
>EP58014 (-) Zm zein 19K C P1; range -499 to 100.

TAAATTACATGTGCACCTTTCTATTGACATCAAAAAATTAGTATCAACTTTCTAGATTAA
AATGCAACAAAAAGTACCTAAATTTCTATCGGTGGGGATCGAGTGATTCTTTAAACCGAT
TATTACACAAGTTAACCACACTAAAATTAATATTGGTGAATCATGCCATGATTTTTTCTA
GTGCAAAATAGCCAAACCAAGCAACACATATGTGGCTATCGTTACACATGTGTAAAGGTA
TTGCGTCACAACATTGTCACCATGTATTTGAACAATACCGAGAGCAAAAACCACTTATT
TATTGTATTTTATCATGTTTGTCTTGCTTACGTATAAATTATAACCCAACAAAGTAATCA
CTTAATGTCAAAACCAACTAGATACCATGTCTCTACCTTATCTTACTAATATTTTTT
TGCAAAATCCAAAATTAATCTTGCAACAAGCACAAGGACTGAGATGTGTATAAATATCTCT
TAGATTAGTAGCTAATATATCGCACATATTATTGAGACCACTAGCAACATAGAAAGCAC
AATAGTGTAACCAAAATGGCAGCCAAAATATTTTGCCTCCTTATGCTCCTTGGTCTTTCT
>EP58008 (+) Zm zein 19K D P2; range -499 to 100.

AAAGCACCAGTTTCAACGGTCGTCTACGCCATCTTTTTACAAAAAGATCCCTACATTTT
TTTTAAATCAATTCAGCGTAAATGTTAAAAAGCGGCCAGAGACAATCTTTCACATGA
TCATGTTGTCTGCAGATGGAGTAGTAGCCTTCACGTGATCATGTTGTCCGATAGATAG
GGTAGCGGGCCAGCGGTTGTTGGTTACTCTCCACCAACAAGAGAGATAGGAATCTATTAG
AAGCCAGAGCTCCAGCTTGCTGATTTGATTTGATGGCAGCAACTAACAAGACAATGACGC
TCAGCATGATATGAAGATTGCCATCGATAGGAAGGATCATCACCTGCTGTTTCGCGGAGGC
GAGAAAGGATGTGGTCGACTTCTTCTCCCTACTCGTCTACTCGTCGCGCGACCGTCAA
ACTGCTGGGGAATAATGCATGGCCGACAACACCTGACCATTGATCTCACATGCCATTTTA
GCTCTCTCATTTCTAGTCTCACCTGACTATTTAGGTCTCCTGACTCGCTAATATAAAC
ACCATCCTATCATTTGATCTCGAATACTTCTTTGTCACAACTCACTGTCAGATGAGTAC
>EP58015 (-) Zm zein 19K D P1; range -499 to 100.

TAAATCACATGTGCACCTTTCTATTGACATCAAAAAATTAGTATCAACTTTCTAGATTAA
AATGCAACTAAAAGTACCTAAATTTCTATCGGTGGGGATTGAGTGATTCTTTAAACCGAT
TATTACATAAGTTAACCACACTAAAATTAACATTGGTGAATTGTGCCATGATTTTTTTCT
AGTGCAAAATAGCAAAACCAACAACACATATGTGGCTATCGTTACACATGTGTAAAGGTAT
TGCATCACACCATTTGTACCCATGTATTTGGACAATACCGAGAGGAAAACCCACTTATTT
ATTGTATTTTATCAAGTTTGTCTTGCTTACGTATAAATTATAACCCAACAAAGTAGTCAC
TAAATGTCAAAACCAACTAGATACCATGTCTCTACCTTATCTTACTAATGTTCTTTT
TGCAAAATCCAAAATTAATCTTGCAACAAGCACAAGGACTGATATGTGTATAAATATCTCT
TAGATTAGTAGTTAATACATCGCACATATTATTGAGACCACTAGCAACATAGAAAGCAC
AATAGTGTACCAACAATGGCAGCCAAAATATTTTGTCTCCTTATGCTCCTTGGTCTTTCT
>EP35006 (+) As globul-12s OG1-E1; range -499 to 100.

CTATATCTACTAACGTGGATTATACATCATAGTAAGTTTCTTACTACATGTGCTTTCTTG
TTACAATGTGGACATGACTCTTCCACTTTTGGGCTTTATGTTGTATGGATATACTCATGA
CATGGAATTTTGTCCACACACGTAGAACCATCCATATATATTGTTGTGCATAGAACAAAA
CACAAGCAAGCCATGAAAAAGGAGTCACAGGTGCCACAACTGTTGTAGGAAGTATAACT
AGTATGAGGCCTTTTTATTGACGTGCGACAATGGCCAAGAGCTACATATAAAAGATGGTG
CTAGATTTGTGAGTCAGCACCAGCTGTAGGCAGAAAACAACACATATCTTTTGAGACAAA
GTTATATCTATTACATTTAAACCATGATCTGTTGAGTCACCATGAATATCTTCTTATC
TATGTTAATAATTACATGTATCATGTTTATCCTGGACTACTTTTTATGGCTATAAAATC
AACTTACAATAAGGAAACTAGCACCAATCCACCTTCTACAATCTCTTCAAAACATCATG
GCAACTACTAGGTTTCCATCATTGTTGTTTACTCCTATATTTTTCTTGTGCAATGGG
>EP17005 (+) Os glutelin; range -499 to 100.

CAACTCATGCATCATATCATGCCTCTCTCAACCTATTCTTCTACTCATCTACATAAGT
ATCTTCAGCTAAATGTTAGAACATAAAACCATAAGTCACGTTTGATGAGTATTAGGCGTG
ACACATGACAAATCACAGACTCAAGCAAGATAAAGCAAAATGATGTGTACATAAACTCC
AGAGCTATATGTCATATTGCAAAAAGAGGAGAGCTTATAAGACAAGGCATGACTCACAAA

AATTCATTTGCCTTTCGTGTCAAAAAGAGGAGGGCTTTACATTATCCATGTCATATTGCA
AAAGAAAGAGAGAAAGAACAACAATGCTGCGTCAATTATACATATCTGTATGTCCATC
ATTATTCATCCACCTTTCGTGTACCACACTTCATATATCATGAGTCACTTCATGTCTGGA
CATTAACAAACTCTATCTTAACATTTAGATGCAAGAGCCTTTATCTCACTATAAATGCAC
GATGATTTCTCATTGTTTCTCACAAAAGCATTAGTTCATTAGTCTACAACAACATGG
CATCCATAAATCGCCCATAGTTTTCTTCACAGTTTGCTTGTTCTCTTGTCGATGGCT
>EP17004 (+) Ta HMW glutenin; range -499 to 100.

NN
NNNAAGCTT
TGAGTGGCCGTAGATTTGCAAAAGGCAATGGCTAACAGACACATATTCTGGCCAAACCCC
AAGAAGGATAATCACTTTTCTTAGATAAAAAAGAACAGACCAGTATACAAACATCCACAC
TTCTGCAAACAATACATCAGAACTAGGATTACGCCGATTACGTGGCTTTAGCAGACTGTC
CAAAAATCTGTTTTGCAAAGCTCCAATTGCTCCTTGCTTATCCAGCTTCTTTGTGTTGG
CAAAGTGGCTTTTCCAACCGATTTTGTCTTCTCGCGCTTTCTTCTTAGGCTAAACAAA
CCTCACCGTGCACGCAGCCATGGTCTGAACCTTCACCTCGTCCCTATAAAAGCCTAGTT
AACCTTCACAATCTTATCATCACCACAAACACCGAGCACCACAAACTAGAGATCAATTCA
CTGATAGTCCACCGAGGTGCTAAGCGTTAGTCTCTTTGTGGCGGTAGTCGTCGCCCT
>EP26035 (+) Ta LMW glutenin 1D1; range -499 to 100.

GACGTCAGTTTCATCTTATCATCTTACAGGAAAGTACAAAGTTAGTTTTCTGAAAAGCAAC
CGAATATAGAAGAACAACCTCCACACTCAAGGCTTTACTAATCGAGCATATCCTAACAGCCC
ACACATGATTGCAAACCTTAGTCATACACAAGTTTTGCCTTTCTTGTTTACGGCTGACAGC
CTATACAAGTTTCAAACCTCGGTTGTAAGTGAATACTATCTTGATAAGTGTGTGACATG
TAAAGTTAATAAGGTGAGTCATATATAGCAAATATCGGGGTTTCTGTACTTTGTGTGTA
TCGTATGCACAACTAAAAATCACTTTGATGATCAATATATCCAAAAGTACGCTTGTAGC
TAGTGCAAACCTAACCCAATGTAACAAAATAATTCATTTAGATGGAGCCAAACAGAATT
ATTAAAGCTGATGCAAAGAAGGAAAAGAGGTGGTTCTGGGCTACTATAAATAGGCATGA
AGTATAAAGATCATCACAAGCACAAGCATCAGAACCAAGCAACACTAGTTAACACCAATC
CACCATGAAGACCTTCTCTGCTTTTGCCCTCTCGCCGTTGCGGCGACAAGTGCAATTGC
>EP35007 (-) As avenin g' AV45-X1; range -499 to 100.

NN
NN
TCTACCTTATACACAGACAAGTTTACAACTTTGCAAGCCATGACAATATGTTTTATGCC
TAACAGCCTGTAGAAAACACAACTTAGTTTTCAGAAAATGATGCAATATAGATCAGTGA
TTGACATGTAAAGCGAAAAAGATGAGACATATTGCCAACTATCAAGCTTTCTTGATAGTC
GAAAGGTGATACATGTAATGGCAAAGCAACTTTTATGATCGATCCAAAAATAACATTTGT
AGGTAGTGCCACCAACACAACATACCAAATAATCAGTTCGAGAAGCATACAAGCATTTT
TTAAGGAAAAGCAAATGCAAAGATGAAAAGAACTATGCCATGGCAGATATAAATAGACC
TGCACCATGGAGATCCTCCTCCATCATTATCCTTCACACACCGAGAGCACAACATTAA
AACCTAGCAAGCAGTATCAACACAAATCTACCATGAAGAACTTCTCATCCTTGCCCTCC
>EP14001 (-) Hv hordein B1; range -499 to 100.

CATGTCATGATCTATAAGTGTGAGTTCATCTTATCATCTCGGAGAACAATACAAAGCTAG
TTTTATAAAAAACAGTCTAGTCTAGAAGAACAGTCCACATGTAAGGCTTTAAAAATCGAG
CATATCTTAACAACCCACACAGATTGCAACTTAGTCTACAAAAGTTTTGCCTTTCTTG
TTTCTCGCTAGCAACCTATACAAGGTTCCAAAATCGTTTGCAAGATGATACTAGCTTGA
TAAGTGCCTGACATGTAAAGTGAATAAGGTGAGTCATGTATACCAAACCTCGGGATTTCT
ATACTTTGTGTATGATCATATGCACAACTAAAAAGCAACTTTGATGATCAATCCAAAAGT
ACGTTTGTAGCTTGTGCAACCTAACACAATGTACCAAAAATCCATTTCCAAACATCCAAA
CACAATTGTTAAATTTGATGCAAAGAAGGAAAGAGATGAAGCCATGGCTACTATAAATAG
GCATGTAGTATAGAGATCATCAAGCACAAGTATCAAAACCAAGCAACACTCGTTAAACA
CCAATCCACCATGAAGACCTTCTCATCTTTGCACTCCTCGCCATTGCGGCAACAAGTAC
>EP14002 (-) Ta a'/b'gliadin 1215; range -499 to 100.

TAACAACCTTGTTGAACATTACAAAATTGATGTTTGCTAGTAACCTCTAGAACAACATAAAC
ACTTGACATGTATAAGGAATTTGATGAGTCATGGCTACTAAAGCAAGTTATATTACTAC
TCTTATCTATCTTAACAGGCCACACAAGATTACAACTAAGTTCTGTATCAGCCATGCTT
ATCTAGTTTATGCATAACAATTTGCAGAACATTACAACTTAGTTTCGGAAAAATAGGCA
ATCTAGATTAGTGTGAGCTATAAAGTGAATAAGATGAGTCATGCGTGTATCACACCT
CTTTGGTGGTGAATGATAGTGAACAACATGAACTTTAGTGACTAGTCCAAGAATACA
CATGTAAGTAGTGCCACCAACACACAACATACCAAATTATGATTTTGGGAAGCATCCAAGC
ACTTTCCAGACAAGAAAATGCCAATTGTGAAAGAGATCATGCCATGGGAGCTATAAAAAAG
CCTTGATGATGATCATATCCTTCTCCTCACCACATCATCTCATAAGTAGAGCGCATCATT
CAAGCCAAGCAAGCAGTGGTCAATACAAATCCACCATGAAGACCTTTCTCATCCTTGCCC
>EP14003 (-) Ta a'/b'gliadin 8233; range -499 to 100.

TAACAACCTTGTTGAACATTACAAAATTTGCTTGCTAATAACTTCTAGAACAACATAAAC
ACTTGACATGTAAAAGGAATTTGACGAGTCATGGCTACTAAAGCAAGTTATATTACTAG
TCTTATCTATCTTAACAGACCACACAAGATTACGAACTAAGTACCGTGACAGCCATGCTT

ATCTAGTTTATGGGTAACAATTTGCAGAAAATTACAAACTTAGTTTCAGAAAAATAGGCA
ATCTAGATTAGTGTGGGCTGTAAAGTGAATAAGATGAGTCATGCATGTTATCACACAT
TTTTGGTGGTGAATGATAGTGCAACAACAAGGAACCTTAAATGACCAGTCCAAGAATACA
CTTGTAAGTAGTGCCACCAACAGAACATACCAAATGATGATTTTTAGAAGCATCCAAGC
ACTTTCCACACAAAACAATGCCAATTGTGAAAGAGATCATTCCACGGCAGCTATAAATAG
CCCCATAGCATGACGATCATCTTCTCATCCATCATTCTCATTAGTAGAGCGCATCATT
TAAGCCAAGCAAGCTGTGGTCAATACAAATCCACCATGAAAACCTTTCTCATCCTTGCCC
>EP14004 (-) Ta a'/b' gliadin 8142; range -499 to 100.

CAACTTGTAAGAACATTACCAAAAAGTTGATGTTGCTAATAAGTGTAGAACACCTACAACA
CTGACATGTAAAAGAATTTGATGAGTCATGGCCTACTAAAGCAAGTTACATTACTAGTCT
TATGTATCTTAACATGCCACACAAGATTACAAACTAAGTTCTGTGGCCAGCCATGCTTAT
CTAGTTTATGTGTA AAAAATTTGCAAAACATTACAAACTTAGTTTCAGAAAAAGTAGGCAATC
TAGATTAGTGTGGTGGTGAAGTGAACAAGATGAGTCATGCGTGTATCACACCTTTT
TGGTGGTGGTGAATGATAGTGCAACAACAACGGAACCTTCAATGACTAGTCCAAGAATACAC
TTGTAAGTAGTGCCACCAACACAACATACCAAATTATGATTTTGGGAAGCATCCAAACA
CTTTACACACAAGCAAATGCCAATTGTGAAAGAGATCATGCCATGACAGCTATAAATAGG
CCCGCATCGATGATGATCCTTCTCATCCATCATTCTCATAAGTAGAGTGCATCATT
CAAGGCAAGCAAGCATGGTCAATACAAATCCATCATGAAGACCTTTCTCATCCTTGCCC
>EP24010 (-) Ta g' gliadin B; range -499 to 100.

NN
NNNNNNNNNNNGTTAGTTTAAAAAGGAATAAGAGTTCAGAATGAACATGACAGTACTAGC
CTAATCTATCTTAACAACATGCACAAGGACACAAAATTTGTCTGCCACAAGATATGAAGA
TTTGGTTTATGTCTAACAACCTGTATAACATGACAACTTAGATCCAAAGGGAACACAAT
CCATATAATTGTTTGACATGTAAAGTGAATAAGATGAGTCAATGCCAATTATCAAGTTT
CCTCACTCTTAGATAATATGAGTAGCAAAAAGGCAACTTTGATGATCACTCCAAAATTAC
GATTGTATGCCGTGCCACCAACACAACACCAAAAAAATAGTTTCGATAAGCATTGAAT
CACTTTAAAAGAGGAAAGCAGTGATGAAAAGAAACCTAGCCATGGTGGCTATAAAAAGGC
CTGCAATATGTGAGCTCCATACCATCATCCATCCTTCACACAACCTAGAGCACAAGCATCA
AATCCAAGTAGGTAGTAGTTAACGCAAATCTACCATGAAGACCTTACTCATCCTGACAAT
>EP35070 (+) Ha albumin G5; range -499 to 100.

TAATTGTTGGTTGGGGGAAATTATTGGGTATGGTGTGAGTGATGACCACCCCACTAA
AAAAGTTGTGAGTGATGTAAAAATGGTTGCTGACATGACGAAACATAATTGGATATTGT
GAGTGATAAAAATTTTATCATTAGTGACACCCCGCTCCCTTATCATATGTTGTTATCT
TCCATAGTTGCGGTATACCAACTATAGGTAGTTTTTATATTATAGTTTATATTTTCATT
AAACTCTCTTCGCCAGGCTACTGTATTGTAATCTATAGGAATCTCAACTCCACTTGGACC
ATCCATCATATATTTCCATTTCCAAACAAAGAGAATTGACACCTCATACATACTCCAAAG
CATACTTCCACTTGCTATAATTTTCATGTAAAAACTCGTACGTGTTATTGACAATGTTT
ATATAACGCCACCGATTAACTCACCTCTCCACGTATGAACCTCCACCCACCATATATAC
GCACCACCACCAACCATTAATTCACACAACCACAACACCATCTCCACAATGGCAAAGCA
AATAGTTCTCGCACTCGCTTTCCGCCCTTGTAGCCTTTGCTACCGCCACACAACCAT
>EP14005 (+) Ps legumin legA; range -499 to 100.

GGAAAGATGATATAGTATTAATAATAATATATTTGAAAAGATAACAATAAATGTATTAT
ATCTATAAATTTACAAGGTTCTTATATTTACATACAAACAAATGCAGTAATGTTTCAAAC
AATATGCAGTAAGTAATTAACACTTTAATTTGAAGGATTAATCAATTTGGTAACTGAAGT
AGCTAATTGAAAGTTTATTCTTTATAAATCTTTGTAATGCAGAATATGTAAGAAAGAAAC
ATGGAGTATAAGAAGTAAAGCCATGGTCCCTGCCACCGATTTTCAGCTATAAGAATTGCA
AGTATGCTCTTTGTCTGGTAAATGGAGATGATGAAGCCATTAGCCACCTCCTCTATCAGAC
ATAGGTGTAAAGCATTATGCTTCCATAGCCATGCAAGCTGCAGAATGTCCAATTCTCAAC
ATCCCACCTTCAATGACGTGTCCAACCTTACCACCTCTCTTCTCTATAAATTACCACT
TCTCATTAAGGTTCTCCGCATCACAACCAACATTCTCTTAGTATCTCTTTCATGGCTAA
GCTTCTTGCACTTTCTCTTTCTTCTGTTTTCTACTTTTGGGTGGCTGTTTTGCTTTGAG
>EP58010 (-) Ps legumin legB; range -499 to 100.

AATTAATAGCTAAAAGTTCATAGAATTTTACTTCTTTAGAATAATCTCTCATTTTAGATA
TAAAAGTAAAACATATAAGTAAGCAACTGGTTGATGAAAATTTACAACCTTTGAAACAG
TATGTAGTAACACTTTAATTTCAAGGATTAATTAATTTGGTAACCAAGACCATAACTGCG
TATTAAGTAGCTAATAAAAAGTTTATTCTTTTGTAAATGCAGAATATGTAAGAAAGAAAC
ATGGAGTATAAGAAGTAAAGCCATGGTCCCTGCCACCGATTTTCAGCTATAAGAATTGCA
AGTATGCTCTTTGTCTGGTAAATGGAGATGATGAAGCCATTAGCCACCTCCTCTATCAGAC
ATAGGTGTAAAGCATTATGCTTCCATAGCCATGCAAGCTGCAGAATGTCCAATTCTCAAC
ATCCCACCTTTCAATGACGTGTCCAACCTTACCACCTCTCTTCTCTATAAATTACCACT
TCTCATTAAGGTTCTCCGCATCACAACCAACATTCTCTTAGTATCTCTTTCATGGCTAA
GCTTNN
>EP58011 (-) Ps legumin legC; range -499 to 100.

AATTAATAGCTAAAAGTTCATAGAATTTTACTTCTTTAGAATAATCTCTCATTTTAGATA
TAAAAGTAAAACATATAAGTAAGCAACTGGTTGATGAAAATTTACAACCTTTGAAACAG

TATGTAGTAACACTTTAATTTCAAGGATTAATTAATTTGGTAACCAAGACCATAACTGCG
TATTAAAGTAGCTAATAAAAAAGTTTATTCTTTGTAATGCAGAATATGTAAGAAAGAAAC
ATGGAGTATAAGAAGTAAAGCCATGGTCCCCTGCCACCGATTTTCAGCTATAAGAATTGCA
AGTATGCTCTTTGTCTGGTAATGGAGATGATGAAGCCATTAGCCACCTCCTCTATCAGAC
ATAGGTGTAAAGCATTATGCTTCCATAGCCATGCAAGCTGCAGAATGTCCAATTCTCAAC
ATCCCACCTTTCAATGACGTGTCCAACCTTCACCACCCTCTCTTCTCTATAAATTACCACT
TCTCATTAAGGTTCTCCGCATCACAACCAACATTCTCTTAGTATCTCTCTTCATGGCTAA
GCTTNN
>EP35067 (-) Ps min. legumin LegJ; range -499 to 100.

AATGAAAATTTAGCAAAATACATAACCAGTCAATCTAGAATTTACCTAAAAGAGAGACAA
CTGTATCTATATTATATCAGGGAGTAATACACCAGCAGTACATTTTGAGTGGAGGAGGCC
AATTATTAAGTTTATAAAGTAGTAAAACATGCAAGAGTCGAATGAAATATATGCTCTAG
ACAGTAAATTAATAGTTGAGTTAAAGAGATAAATGCATAGAGTCGACGCAGAGAAAAGAA
CTAGAGAAGTGAAGGGGACCATCCACATATAAGAATACCAACAAATATTCATTGTCTCTT
TGTGGTATTTGGATATATACTAATTATCAATCTGTGAAGAATGAATGAAGCGGCTACTTG
CGCTGCGTCCCACATATGATGTGTATCAATTTAGGACTCCATAGCCATGCATGCTGAACA
ATGTCATACACATTCTGTACACGTGTTCCCTATCTCACCTTCCCCTCTTCTATAAAATC
ACCACAACACAGCTTCTCCACTTCCACTTCACTCACCCTTCTCTCTTAGTAGTTTAT
GATCAGAGTCACAATGTCCAAACCTTTTCTATCTTTGCTTTCACTTCTCTTGCTACTCTT
>EP35066 (-) Ps convicilin cvcA; range -499 to 100.

TAATGAGATTGTTTCACATGCAGAAGGACCGATCAATCAAGTTTCTTGCTTCGCCGTAA
TTTTATGTTTATTTGTTTCACTACAAGTGGCTTCATTCATAAGTATTAATTTATGCATAA
AAAATTAACGAATTTAAATATTAAGAATTTCCAGATTCAATTCATCAAAATTAAC
AAAAAAGTTGACATAATCATGGTCATGATCGCCGCATCCATGTAATCTAAAAGAACTGG
ACCCCAAAGTCCATGAATGAAAACACGTACAACCAATGTGTCACACATGCAGCTCAAAAT
AATCAACAAGTCAACCCGCGAGCTCATCCGCACCTTTCTAACAGTTACAATACAAGTCAAG
TTGCCACCTCTATTTTGTTCAATTTCAACACTCGTCAAGTTACATGACACAATGTACCCAA
ATGACCATCCACGTTATTCATCTAGCTTTACGTTCTATCACTATAAATATCCTTCAACTT
AATCTTTTATTTTCATCATCTAAAGTTTGAAGTCAAGTGAATACAAATCATGGCGACCACTG
TCAAAATCAGGATTTCCACTTTTGTGTTTCTGGGAATTATTCCTGGCTTCTGTTTGCG
>EP35063 (-) Pv a'-phaseolin; range -499 to 100.

TGTTAAGAGTAAATTTTCAAAATTTATTTGACAAAAAAATGGTAAAACATATACTATT
AAGTTGATTTTTCGTAATAATAGAGACAAATGCAACCGCACCTTTCTTCAATCACACAAAT
TTGGTTCAGGTTGTCATGGCCTCTGTAGTCGTTTGGTTTCATGCATGGGTCTTACGCAAG
AAAAAGACAAAGAAAAAAGCCAAAACAGAGAGATCGCCGCGTCCATGTATGTCTAAATGC
CATGCACAGCAACACGTGCTTAACATGCACCTTTAAATGGCTCACCATCTCAACCCACACA
CAAACACAATGCCTTTTCTTTCATCATCACCACAACCACCTGTATATATTCTTCTTTC
CGCCACCTCAATTTCTTCACTTCAACACACGTGAACCTGCATATGCGTGTCTATCCCATGC
CCAAATCTCCATGCATGTTCCAACACCTTCTCTTATATAAATACCTATAAATACCCCT
AATATCACTCACTTCTTTCATCATCCATCCATCCAGAGTACTACTCTACTACTATAA
TACCCCAACCCAACTCATATTCAATACTACTCTACTATGATGAGAGCAAGGGTTCCACTC
>EP07009 (-) Pv b'-phaseolin; range -499 to 100.

ACTAATTTTCATATATTTCTTATTGCTTTTACCTTTTCTTGGTATGTAAGTCCGTAAC
GAATTACAGTGGGTTGCCATGGCACTCTGTGGTCTTTTGGTTTCATGCATGGGTCTTGCGC
AAGAAAAAGACAAAGAACAAGAAAAAAGACAAAACAGAGAGACAAAACGCAATCACACA
ACCAACTCAAATTAGTCACTGGCTGATCAAGATCGCCGCGTCCATGTATGTCTAAATGCC
ATGCAAGCAACACGTGCTTAACATGCACCTTTAAATGGCTCACCATCTCAACCCACACA
CAAACACATTGCCTTTTCTTTCATCATCACCACAACCACCTGTATATATTCTTCTTTC
CGCCACCTCAATTTCTTCACTTCAACACACGTGAACCTGCATATGCGTGTCTATCCCATGC
CCAAATCTCCATGCATGTTCCAACACCTTCTCTTATATAAATACCTATAAATACCCCT
AATATCACTCACTTCTTTCATCATCCATCCATCCAGAGTACTACTCTACTACTATAA
TACCCCAACCCAACTCATATTCAATACTACTCTACTATGATGAGAGCAAGGGTTCCACTC
>EP35015 (+) Cg canavalin; range -499 to 100.

ATTAATATTTTATTTTAAAGTTAGATTTAATATTTTAGTTAATAATTTAATTATTTTAGT
TCATAAAAATTAGTACTAACTAAATTTGATGAATTTTAAAAATAAAACATGTAATGAA
AGTAAAAGGAATAAAATTGATCCCTTGGTAGTGGTGTAGGATAACAGTGTGGAGTCCCTT
GCAACGATGAATGATGAAGAAATAAAAGGAAGAGCGAATCCTTTGGAAACCAATAGAGT
TTATACTGAAACAAAACGCAACCGCGCCAAAGTTCACATGAATGGTAATTGCTAGGTGAT
GAAGTTGCGCCGGTCCATGTATATCTAAACTGATGGAATGGACCACAAAACACAAACCGA
TATTCTCTTCCGCCACATCAATTTGTTTCAATTTGAACACTCGTCAACCAGCATGGCATTCC
GCGGCCAAATGTCCATGCAATTTAACCACACCTTCTCTTCTACAATAAATACCGGT
AATGTGACCCAAATGTTCTCATCATCCCCTCACACTGCAATACCAATAATTTTGTATTTAG
TAAACCAATATGGCTTTTTCTGCGCATTTCCACTATGGTTATTGCTGGGAGTTGTTTTG
>EP35069 (-) Gm b'-conglyc. a''; range -499 to 100.

TTCTAATCAGTTACTTAATCTTCTCATCATAATTAATCTGGTAGTTCGAATGCCATAA

GTTAATGAAAAATCAGAAAAAAACACGACAAACCTATCACACGCGCATGCAACCCCA
TAAAAGCACGATCACTCCGACAATCAAACCCAAACAGGCAAAGAAAACATGCAAGACGATG
CAAGTGGCACGATCAGCCAGATATCGAATTTGTTGGGCAAGCGCCAGTGTGATGTACGT
TGGGAAAACCTTGCAAGAGGATGCGACCAAATGAAC TGGTAAACCATCCCCTGAGCGTGGC
CTACACATTTTAAGCCAGCGGTCTCTTTGCACTTGTCTTACAAAAGCTGGTCCAGTCACG
AGCCTTAGCCCTAACCATAGCCACAAGTACATCTCATCCATTTAAGGCCTCTGCGTGCAC
CAATGGCATCCAAGCTGCAGATTTCTTTTACCACCGTCTCTCTTGTGAGCTGTACCAA
GCACCAACCAATTAATTTCTCTATATCTTGTTCCTCTCAAGGCTCAAGCTCTTTAAATAG
CTCCATACAATCTCCTTTAAACCATCTCCACACTCAAGCCACATATTGGAGAACAC
ACAGGGACAACACCCATAAGTGCAGCGCAATGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP41001 (+)Zm LHC cab-1; range -499 to 100.

CGTTGCCACGAACCGACCCCTTACAGAACAAGGCCTAGCCCCAAACTATTCTGAGTTGA
GCTTTTGAGCCTAGCCACCTAAGCCGAGCGTCATGAACGTGATGAACCCACTACCACTAG
TCAAGGCAAACCACAACCACAAATGGATCAATTGATCTAGAACAATCCGAAGGAGGGGAG
GCCACGTCACTACACCAACCGAAATATCTGCCAGTATCAGATCAACCGGCAATAGG
ACGCCAGCGAGCCCAACACCTAGCGACGCCGCAAAATTCACCGCGAGGGGCACCGGGCAC
GGCAAAAACAAAAGCCCGCGCGGTGAGAATATCTGGCGACTGGCGGAGACCTGGTGGCC
AGCGCGCGGCCACATCAGCCACCCCATCCGCCACCTCACCTCCGGCGAGCCAATGGCAA
CTCGTCTTAAGATTCCACGAGATAAGGACCCGATCGCCGCGGACGCTATTTAGCCAGGTG
CGCCCCCACGGTACACTCCACCAGCGGCATCTATAGCAACCGGTCCAACACTTTCACGC
TCAGCTTCAGCAATGGCTGCCTCCACCATGGCGATCTCCTCCACGGCGATGGCCGGCACC
>EP35018 (+) Zm LHC cab gCAB48; range -499 to 100.

TGAATCTCTCTATTTACATGTCCACCAACAAGATTAAATGCAATGATACATAGCTTTTG
TGCATATTTTTTTTTAACGGAGATGCAAAACAGTATACAAGATGTGTGTATGTTCCCATG
CGACCCATCTTGTATCCAGTTCATGCGTCTGGTGGTTGAACCAGAAAGATACACATGATC
CATTTTCGATGAATCAACACAAAAGACTTCATTGATTATGCATTTGACAAATAGCAAGAAG
CGCGGGGCAACAAAGCCCATCCTATCTCATCCATTTTTTCCACGATGGCAAGTGGCAGC
TCCTGATTAGCTACGCCCATCTCTATGCTATGTGGCACACCCAGGATTCTTGTGTGATA
GGCCATTGGGGCCACGAGGAGCCACGTGACACGCCAAGCCACCCCGGCGAGACCAACCAG
CCAATCGCAGTTCAGGAAAAGATGACCTGTATCCAAACCCAATGTATAAAAGGCAGCT
GCTGTGTTCTGTTATGACACAGCCATCACACGCATACTGCATACACAACACAGAGCATCA
GAAGGAGCTACGATCTGATCGACATGGCTGCCGCCACCATGGCTATCACCTCCCGCGCGC
>EP11003 (-) Ath LHC II AB180; range -499 to 100.

GCAAAATATGCAATAATCAGTGTTTTTGAGTCTTTCATTTTGATTTAAAAGCAAAAAC
AACTGAGTTTCAAGGTTAAATTAATTACATTATTCATGAGATTTATCAGGTTAGTGGATA
AACTGACAATGGAATCAATGTTATTGTAAATTGGTAGTGATGTTGGACTTCTAATGTTAC
TCTCTATGATGTTTCGGTCATCAATATCACACTATCTTTACTTTTATTTAAAGGAAAGAT
CACACAAATAAGTTATCTCTATTTCAGAACTATTAAGCTGCTTCCAAAAGACTTGCAACAT
GTGGTCTCGAAATGCTTTGGCTGCAATGAAAAAATCATAGCAAAAGCTAGTGGACTAGAG
ACTGCCACATAAGAATAGTAAACGTTAAACCAAAATCTCAAAATCCAATGAGTAAAGA
GATATAGATTACTTCATAGATAACAAACGTTACTCGCAATTTTCTATATAATCCAACCC
TACCTAACCATTTTCAATCACTCTCACTCACAAGTTAGTCACCAAAAAAAAAAAAAACA
CAAAAAGTTTCAATGGCCGCTCCACAATGGCTCTCTCTCCCTGCCTTCGCCGGAAG
>EP35023 (+) Sa LHC cab; range -499 to 100.

GGGTGACACGTGTCAATGGAGTCCGCAACAGTGCAAGAGACCCCTTTAAAAGATTTCGG
ATAAAGATGTTCTAAGGGACATGACCAAAGTTTTGCGGTCTCTCGAGTGAATGAGTATT
GTCACCTTGAATCTATGCATGTCCTTTAGGAACGTAAACACAACAACAGGTTACTGTGAC
TGATGGGTCCCCATTTGCAATGTGTTAACTAGATATCTATCGTCTCAGCAAAATTGGAATA
CCCACTGATAGCGTGCCACGTGTAACCTGACATATGCATCTATCCATTTGTATCGTAAA
AAATTAATAAATCACAAGTGTCTTCATTGCAACTAAAGAATCTAAACAAAAGCTGTGGCG
TAGAGACTGACACATAGGACAACAACACGACATATCCAAAATCTCATTAGCCAATCAGGA
AACAGATACAGATACTTCACAGATAACAAACCTTACTCTTACGATTTCTATAAAACCGAT
CTATACCCCAACCAAGTTTCAATCACTCTCACCAGTCACCAAAAAAACATAAAATCAACA
AAAAAGCAGAAAAGTTCTAATGGCTGCCTCAACCATGGCTCTGTCTCCCTGCCTTCGC
>EP35027 (+) Np LHC cab-E; range -499 to 100.

TTGGACTTGTAGTATCAAACCTTCAATGACGCATCAAATTAATTATGGTAGCTTCGCGT
TGGGACACTTGTACATGCATTAACCTTGATTTCATTTCTTTTTAAAAATATTTGTCTAT
TGTCATTTTACCCTCGTACTTGAAGTGGGCTATTTGACAGGTCAGTAAATACAGAAG
TGATGAACAATGCGTGGCCAAGAGTAACCTTATGCTAAAGACAAGTGGATATTATATT
GCAATAATCCACAATCAGACGTGGCAAATTTGGATTGGCTATAAGAGAGCAAATCTTCAT
TAGGTAAAGTTTTTTAAACATAAAAAGTATCTAAAAAATCTTGTGATGTTAACGGTGCT
GAACTTTGCCAATGGACAAGAATGCAAAAGGTTAAATTTGCAATCCACCAATTGAAAAG
TAGATATAGATACTCAAGGATAAGGGTCTTTGGGCTGTAAAGCCATTTATATACACTTA
GTGCAAGGCCATGAAACTCAAGCTCAAATCAACTCTTTCTTTTGTGCATTCAAGAGT
TATCATTTTACTCTACANNN
>EP16003 (+) Ps LHC AB80; range -499 to 100.

AGTGCATGTGTAACCAACCATCAACTATTATTTGGTTCTTTTCAAAATTTTCTACCTTA
CCTTTATCTTCTTTATTACACTTGTCTTTCTTCTCAAATTTTCGACGCGTGTGATGTAAT
ATTGGTATAAAACAAGAACTACAAAACGCGAGCTGCCATAATGTCACAATTTTCTCAAAT
CTTGTGGCTCTCAAACACTGTATAAAACACGACAAATGTGGACCCAAAATATATACCTTA
CACTTCTGAGTTAGAGAAGCAGAGCCCCATAATTAAGCCTATTTTATGAAAAAATAATA
TTATGTTGAGTCATATATCCATAAGAATCCCCACAGTCACACATGGAAGAGCAGCATTGG
ATACAAATGATATGAAGATTTTGATCCATGAACGGATTCTAGAATTGCAAAGAAAATCTC
CAACTAGCCATAGCTTTAGATAACACACGATAAGAGCATCTGCATTATAAATACAGACTC
ATATTCATCTTACAAAATCACCATTGATAAGGATAACAATTATCAAAAGCATAACAATCTT
TTCAATTTTATTGCAATATAATACACGATGGCCGATCATCATCATCATCCATGGCTCTC

NN
NN
NN
NN
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNCGTGGAGACCCACATTGGCCACAAACCATACGAAGAATCTAACCCAT
TTAGTGATTATGGGGGTGCCAAGTGTAACCAACAAAATCTCAAACCCCCAATGAGATTG
TAGCAATAGATAGCCCAAGATAAGAACCCAACCACTTCAACCCCATATAAATAAACCCGG
ACACAACCTTCACCAAGTCACTCACCCTTCAAACACTCATACACAAAGCACAAAGCAA
AGCTCATCCTTGAGTTAAAAAATGGCAGCAGCTTCTTCCATGGCTCTCTCATCCCCATCC

[illegible][illegible]

NN
NN
NN
NN
NN
NN
NNNTTCCAACCTGGGCAAGGCCAAAG
GCCTCACTCTCCAAGGAAAAATCAGAAGGAAATCCAAATCCAAATGGACTGAACCTATCA
GCTTCTGCTTAGGTGGTCCATATTGTGATCCTCAAATCCATTATTTTCATATATATACC
TTCATTACCAAGCAATATAGCAGAAAAATAGACTTTGGTTTAAAGTTTCAAACATATATAG
CATCATCAGTACATAAAAAGATATATATTAAGGGGGTTAGATGGCAACTTCTGCAATTCAA

TGTTGTAGGTCGTTTTCTCTCTTTAAGATTGGACGCTCGCCGTTTCTTTATTTTCTAG
CTTATTGTAGTTGTCCATGCTTGCTTAAGTAGGCTCAGTGAGAGGCTAGACTTGCCAAAC
TTGAAGAGTCTTTATTTATTTAAGAATTTAGATGTTCTAATGTATTAATCCTTTTTCGI
AAACCTTTCTGTAAACAAGAGGTTTATGTTGCATGTTAAAAAAGAGGTTTAGGTTATA
TTAGCAATTTAGCATTGATTGTTGGTTAGTAAGTAATATAAATACCACAAGAAC
AAGAAATACTAATGAAAACCTTGAATGTTCAAAGTCTCCTTATCTACTTATGCAACGTTA
GACAAAGCTATCAAACAATGCCACGTACCTCACAAAACATCTAGGGTAACCAATCACAT
GCAGATAACTCTCTCGCTTTATTTTCTCTTCAAATCTTATCAAAAATCCCATAATGTTTT
CATTTCTTTACAAGTGATCAACAAAACACCCCAAAAAGTAAAGAAAAATGGCCGAATTAC
ATCAGCTACCGTCACCATCCCTTCTTTACCGGCCATAAGCTCGCCGTGAGCTCAAAACC

TGTCGTGTCGGACGTGCAATTGGGTAGGATAATTTTTCCGCTAGGGTTAGTTCGGTTG
TCATTCGTTCAAGAGTCGTGGTCGGGTTCAAGTCATCAAGTATCATGTCAAAATTGGTTA
TCAGTTTTGTCAAGTCGGATACAGTCGAATTAAGTTTTCCCTATTTTAACAACATTTTAA
ATCATGACATTTTAAATCACGGTAAGTTACGAATCTGGATAAGTTAAGTCGGATTGTCA
GATCGGGTCAGTTTTTGACGGCTCTACTTCAACCCCTCCCATTTCAAAGTTCACATCAT
CCGATATAATCCGAGCACAACTAAGAAAACTAGATAATACCCCTTTATTGGCCACACA
TCACAAAAATCCTTTAATCCATGCCATAAAAATCCCACAAATGAAACACACACAAAAAC
CATGTAACACAGACATACCTCATCTATCTCCATTTTATCCACCTCTATTAAATCCCATC
CTCGCTCTCAGCACTCTTTGGCAATTGTCAATTTCTTAATTGCATTCCACTTAAACCCCTC

12/812

GGATGGAAAATTATTGCATACATCGGAGAATAAAAAATAACAAAAGGTAAAAAAAACAAA
AATAAATGGGTTTCACAGAGAAACAGGAGGCTTTAGTGAATGCTTCATACGAAGCATTTA
>EP35072 (-) Sr leghem. Srg1b3; range -499 to 100.

TTAATTTTTTATATTAATAAATTTTAATTAATAAATAAATTAACATGTCGAGCATAGTCTA
ATATTTTTTATTAATAAATGTTAATAACATACCTTTTGATAGTATTTTTTTGTGACAA
TCTTTTTATTGGAAGAAGTTCATCAGTGTGTAGTACGAATTCCTCTTTATTACTAGAA
TTAACACAGGATTTCACTAAATAATAGTTTTTTTTATAAAAAGATATTGCTTCCTTGAAA
AAAAGATGTTTGTAAAAATTTTGTAGAATAAATTACATTAATTAAAAAGTAAAAAAAT
ATTAAATGTTTTGAAGTTTTCAATAATTTTTAAATTATTAATTAATTTTTTAAAAAGATT
ATTGTCTCTTAATAATGTCAATGGCCACCTTCAGGAGCCAAGAGTTTCTTTCAATGACA
ATCACAAGGAATCAACTCCATCTCTTTGCACTCTCTCACCTCCTATATAAAACAAGTATT
GGATGGAAAATTATTGCATACATCGGAGAATAAAAAATAACAAAAGGTAAAAAAAACAAA
AATAAATGGGTT
>EP35011 (+) Ath P-glycoprotein 1; range -499 to 100.

TCCAAGAACATGGAAACAAATGTGTAAAAAGGAAATAAAAAACATCAAGCGTGGGCTGAAA
ATCACTACACGAAAATCCAAATTTTGGTAATCTATTAATTTTTTAAAGTTGGTAATAAA
GAGAATAAATACACAAATGACTGGCCAGTACACAAGTTGACTGATTAATCGCAATTAAT
ACATAAATTAATAATTAATAAAAAACGGTAAAAAACGTTAATAAATAAGGAAATAAATCAAAAC
AAATGAAGAGTGGGATTAGTAAAGTATTAAGAAAGCATATAGAGCGGAAGAAAAGTAA
GATGGAAGATTATAAAAAAAGTGTGTGAAGAAGAAGCTATTCGATTTTTATAGTCTTG
AGTTTTATTTTTATTTAATAAGAAAACAAAATAAGATTTTTTAAAAAATAGTATATTATTT
ATTTATTAATTTTCTTCAGGGCTGTTGTGGTTTTTGGAGTTCTCTATAAAGCAAAGTAAG
AAAACATCTACACAAATGTCCCAACAATCTGATCAGAAAAAGTAGACGAAGAAGAAGAA
ATTAAGTCACCTGAACAATGGCGTTGGTCCGAAATGCAAGGCCCTTGAGCTTCTCCCTCAT
>EP16008 (+) Gm uricase II; range -499 to 100.

TTATATAAAACTCTTTAATATCAATGTTAACTTTTTTTTTTACAATATCTTTCTTTTAA
TTCTTTTCATCCAAAATCAATTGGCGAGTGACCTGCGCGACAAGGTTACCAACTAGTTTA
GTTTAGCATATAAATTAGATGTCCGTACTTGCTTTAACTTATTTCAAAACAATTAATTAC
CTTCATATTCTCCACGTCCTTATCTATACTACCAACATCACGACACATCTATGATTTTC
CAAGTTGAGAGTTTTCTCACGTAATAAATTCATAGAAAATTTTGGAGTACCAATTATTAT
GTGTTTAGGAAGAGATTCAACAATCTTCGTCCTAACCTATTTGTAGCAAGAAATTGAATT
GAAAAATTTATAACAATTTGTTTGGACAATGATGTAATGTAAGGGCGCACACAGAGTTAC
TGAGAGGGGGGAAAGTAAACCGGCAACACCGCCTTGCTCTCACAGGATACACACACAT
ATAAATAGGGCGAAAACCTCAATAGTTAACTCAAACATTTCTTCAGTTCTAAGAAACCTTAA
AAAACAAGTAGTGTTCGAAAAGATGGCTCAGCAGGAAGTGGTAGAAGGGTTCAAGTTCCG
>EP14011 (+) Ms gln synthetase; range -499 to 100.

GAAGTAAACAACAGTATTTCTAAAATTGTTAATATAATTATTGAGAATTATATCTTTA
ATTGTTAATCAATCAATAATTGAAGGAATCCTGTTTTTAGTTTGTGCGTGATTACCACT
AATAACAACAATAAACAATAAAATGGAATAAAAAATTAGAAATAATTATTAATTAGAGTC
GAATTAATTTGAATTGTTCCAATGAATTGGTTTGACTCCTTAAATAAGGATCTAACGTT
TATTTCTCTCCGTTGTCAATTTAGTTGTTGACTAATTCACAAAAGTCATGCTTTGACTTT
AAATTAACAGGGTTTTCGCAAGTGAACGGTGAGATTAGACGAATATCGAATTTGTTTTGT
AAAAAGAATTTAATTAGAGTAGACTAGATTATAGAGAAGGAGTTGTAACCAAAAAAAAAG
ATTATAGAGAAGGTGAGGAAGACTAGGAACAGAAAAACCAACTAGGCTATAAATAAGACC
CCACACTGCCTCATTTCTCTATTCAACAATATTTCCGTTTTTCGTTTTCAATTTGATTCA
TTGAATCAAATCGAATCGAATCTTTAGGATTCAATACAGATTCCTTAGATTTTACTAAGT
>EP31004 (+) Ph EPSP synthase P1; range -499 to 100.

TATTAACGGTAAAGTGGTAAGTTTAAAGTTAATTGTTTTCAAATATAAAATTGTACTAT
CATTTCTTTTGAATGGACTAATAAGAAAACTATGACATCCATTATGGAGCGGAGGGAGT
ATCTCCTTTTAAACAATAACCTTTGTCCCTTCAATTCAATTATCAGTATGCAAAACATTAA
AATTATTATTGATGTTAAGTACCACATCATCCTTAATGATAGAATCATCGTAGAACGCTT
TTCCAGGCACACATTCAAAGTATGACCAAAAAATATGTACCACACATCGAATAGTCC
AGACTTCTTTGTTTGAATAGTCGACTACATTGGATAATGGAACCTCTCGAATTAACCTCG
AATTAGTCGAGCCCCAAATAATATATACGTGCGGTGGAAAACTATAAAATGTTTGACAAA
AATGTCAAATTAATATATCAATCTGCAACAACCTTTTACCTTGAGAACACAGCTGGAAT
TTTTTACAAAGGTAGTTGGTGAAGCTAGTCAGCGAATCCATTACCTTCCACTCTACCTA
ACCCCTTACCAACAACAATAATTTCTGTAATTTAAAAACTAGCCAAAAAAGAACTCTCTT
>EP31005 (+) Ph EPSP synthase P2+; range -499 to 100.

TATGGAGCGGAGGGAGTATCTCTTTTAAACAATAACCTTTGTCCCTTCAATTCAATTATC
AGTATGCAAACATTAATAAATTATTATTGATGTTAAGTACCACATCATCCTTAATGATAGA
ATCATCGTAGAACGCTTTTCCAGGCACACATTCAAACTAGTTAGACCAAAAAATATGTAC
CACACATCGAATAGTCCAGACTTCTTTGTTTGAATAGTCGACTACATTGGATAATGGAAC
TTCTCGAATTAACCTCGAATTAGTCGAGCCCCAAATAATATATACGTGCGGTGGAAAACT
ATAAAATGTTTGACAAAAATGTCAAATTAATATATCAATCTGCAACAACCTTTTACCTT
GAGAACACAGCTGGAATTTTTTACAAAGGTAGTTGGTGAAGCTAGTCAGCGAATCCCAT

ACCTTCCACTCTACCTAACCCCTTCACCAACAACAAATTTCTGTAATTTAAAACTAGC
CAAAAAAGAACTCTCTTTTACAAAGAGCCAAAGACTCAATCTTTACTTTCAAGAANNNNN
NN
>EP29007 (+) Ta RuBPCss; range -499 to 100.
AGGCACATCGACGGATATGGAGGGGGGAAACATATATTTTACTATGCTAGTTCAGTTAAT
TCTACCAAGAAAACATATATTTTATTTTGACAAACATTGTATAAATGTAGACATTCACAT
ACACGTATGTACACCACCCTCTATGATTGCACACCCGCACACTATATGCCTATGAGCATA
CTTTCAAGAGTGAGCCAGCAAATTTTATGATAAAATGAAATATTTTGCCAGCCAACTCA
GTCGCATCCTCGGACAATTTGTTATCAAGGAACTCACCCAAAAACAAGCAAAGCTAGAAA
AAGGTTGTGTGGCAGCCACCTAATGACATGAAGGACTGAAATTTCCAGCACACACAATGT
ATCCGACGGCAATGCTTCTTCCACTGATCCGGAGAAGATAAGGAAACGAGGCAACCAGCG
AACGTGAGCCATCCCAACCACATCTGTACCAAGAAACGGGGCTATATATACCGTGGTGA
CCCGGCAATGGGGTCTCAACTGTAGCCGGCATCTCCTCTCCTCCGATAATACAAATAC
CATGGCCCCCGCGTGATGGCTTCGTGGCTACCACCGTCGCACCTTCCAGGGTCTCAA
>EP16010 (-) Gm RuBPCss SRS4; range -499 to 100.
GCATGCTTTTACGCTACCCAACAACTGGATAAGAGTGTGAGTTGATATGGTTCTCTTGT
TTTTTTTTTTTTTTTTTCCAAATGCAAAATCGCCTTTAAAAATATAAAAGATCACTGTAACA
AGGGACAAAGGGTTTTTCGTTTAAACCATGCATGAGATATGATGGTCACAAAATATGTTAG
GTTTAATATGGAATGAGGGCACAGTACAAACCACTCGCAAATAATATCAAACCTCCACCAC
CATCACACATTTTACGTTCTTCCAAGGAAGAGATAAGATAATGAAGCCTCCTCCACGTGT
CACTTCCACATGGTACCTAACGATAAGGCTACCATTNAAAATTTTCTCACTCGTGTGGC
CAATATGCTGTAATGTCATCACTTATTCAATCCAACGGTTGTAACCTTCTCAGCAACCAAT
CCCCTCCATTTACACCATCGGATTAGTACTACACAAATCACACTATTATATAGTAAG
TTTGAGCAGAAGCTTGATATCTGGCAGCAGAAGAACAAGTAGTTGAGAACTAAGAAGGA
GAAGCAAATGGCTTCTCAATGATCTCTTCCCAGCTGTTACCACTGTCAACCGTGCCGG
>EP07005 (-) Gm RuBPCss; range -499 to 100.
NN
NN
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCCGAGAGGAATGAATAATGGAACCTCCATGTGTACCTC
CTCATATGGTATCCAACAATAAGGCTACCATTCGAAAATTTTCTCGACTCGTGTGGCCT
ATATGCTGTAATGTCATCACTTATTGGAATCCAACGGTTGTAACCTTTTCGGCAACCAATC
CTCTCCATTTACACCATTGGATTAGTACTACACAAATCGACACTATTATATAGCAAG
TTTGAGCAGAAGCTTGATATCTGGCAGCAGAAAAACAAGTAGTTGAGAACTAAGAAGAA
GAAAATGGCTTCTCAATGATCTCTCCCCAGCTGTTACCACCGTCAACCGTGCCGGTGC
>EP16011 (+) Ps RuBPCss E9; range -499 to 100.
TATTTGGGCTAATCTATTAGAGATAGTTTCTTAACAACTTGTAACCTTTGGGTCTATAT
TAGCTAATGATCCATCTTATATTTTTTCAAATGAATCATTAAATAAACTTTCCACTTTTA
TTTAATTTTTTCAATTCAGTTTCATCATCAAAGCAAATGTTTCCCTGCCATCTATCTGTC
AACACTAACATCGAATGTACTTATCTCATTAGTTTAAATTATTGTTTGATCATGTTAAT
CCTTATACTGTTGTTAGTTTTTTCAGTTAGCTTAGTGGGCATCTTACACGTGGCATTATT
ATCCTATTGGTGGCTAATGATAAGGTTAGCACACAAAACCTTTTCAATCTTGTGTGGTTAA
TATGACTGCAAAGTTTATCATTTTACAATCCAACAACTGGTTCTAGGCAGTGGCCAAC
TACCACAATTTTAAGACCATAATATTGGAAATAGAAAAATCAATACATTATATAAAGCAA
GTTTTAGTACAAGCTTTGCAATTCACCAACAAGAACTAAGAAAGTCAGAAAAAATGGCTT
CTATGATATCCTCTTCCGCTGTGACAACAGTCAGCCGTGCCTCTAGGGGGCAATCCGCCG
>EP16012 (-) Ps RuBPCss 3A; range -499 to 100.
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNGATCCAAAAGCTTGACAGGAACAAATGTTACCC
ATACATAAAAGATATTTGTGAAGTAACAGTCACAAAATTCATGAGGCCAACATACTACA
ATTGAATTTTTCATGGATACAATTCTTACAAAATAAAAATATCGACATAACCACCATCACA
CATTTACACTCTTCACATGAAAAGATAAGATCAGTGAGGTAATATCCACATGGCACTGTC
CTATTGGTGGCTTATGATAAGGCTAGCACACAAAATTTCAAATCTTGTGTGGTTAATATG
GCTGCAAACCTTTATCATTTTCACTATCTAACAAAGATTGGTACTAGGCAGTAGCTAAGTAC
CACAATATTAAGACCATAATATTGGAAATAGATAAATAAAAAACATTATATAGCAAGTT
TTAGCAGAAGCTTTGCAATTCATACAGAAGTGAGAAAAATGGCTTCTATGATATCCTCTT
CAGCTGTGACTACAGTCAGCCGTGCTTCTACGGTGCAATCGGCCGCGGTGGCTCCATTGC
>EP16013 (+) Ps RuBPCss 3C; range -499 to 100.
NN
NN
NNNC
ATCTATGATATAGATATTTTATGGAGGAATTAATAGTGACAAAACCTCCATGAGGCCAACAT
GCATACAATATAAAATTTTCAAATGACTAGCATCACACATTTATGTTCTTCACACATG
AAAAGATAAGGTCATCATCCACGTGGCACTCTCATAGTGATGCATAATGTATGGCTAGTA

[illegible]

TCAATGGCTTAGCTCAAAATATAATTTTCCAACCTTTTCATGTGTGGATATTAAGTTTTGT
GTAGTGAATCAAGAACCACATAATCCAATGGTTAGCTTTACTCCAAGATGAGGGGGTTGT
TGATTTTTGTCCGTTAGATATGGGAAATATGTAAACCTTATCATTATATATAGAGTGGT
GGGCAACTATGCAATGACCATCTTGGAAGTTAAAGGAAAAAAGGAAAGGGAGAAAGA
GAAATCTTTCTGTCTTAAAGTGAATTAACAATGGCTTCCTCAGTTCTTTCTCTGCAGC
>EP24004 (-) Np RuBPCss 8B; range -499 to 100.

GAGTATGTAGTTATTTTGTCTTCAAAGTGATAAAGAAATGAACTATGATGGTACATA
ATTTGCATTTGAGTAGTGAATAGCTACTTTCTTAGTTTTAACTTTTAAAGCATGTATATT
TTGAAAAACAAAAATATATGTGCACATACATAAACAAATACGGCTATAGTCCAAGCAAAA
GGGACTGAAAAAATAACCAACCTCAATCATACATTCATCCTCTTCTACCCCATCT
AGGATGAGATAAGATTACTGAGGTGCTTTACACGTGGCACCTCCATTGTGGTGACTTAAA
TGAAGAATGGCTTAGCACCAAAAAATAATTTTCCAACCTTTCATGTGTGGATATTAAGATT
TGTATAATGTATCAAGAACCACATAATCCAATGGTTAGCTTTATTCCAAGATGAGGGGGT
TGTTGATTTTTGTCCGTTAGATATGCGAAATATGTAAACCTTATCATTATATATAGAGT
GGTGGGCAACGATGCATAGACCATCTTGGAAGTTAAAGGGAAAAAAGGAAAAGGGAGAA
AGAGAAATCTTTCTGTCTTAAAGTGAATTAACAATGGCTTCCTCAGTTCTTTCTCTGCA
>EP35031 (+) Hv RuBPCA RcaA; range -499 to 100.

ATGGTTATCAACAAACCAGTATATGTATGGCAGCAACAAATTTGTGGTACTTGGAACAG
AATACAATCTTGGGTGCCTCATCCAACAAGCAACGAGAGACCTTTTTTTGTGGTTATGC
AATGACATGGCTTGCTAATAAACAAGATAGTATATACGGGCGACCGAGTGAAAGGAAAA
AATGAAAGGCACGGAAGAAATGGGAGATGATTTGAGCATGAATGGTTAGATTCTGTGGCC
GTGGAAGGCCATGGAATTGATGGCCAGCAGACGTATCTGCAGCTGCAGCTGCAGCGTTTG
GTCTTGACGGTCCAAGTCATCAACCGGCCGCAAGACGCTCAGAACCCAATCTCCAGC
GTGTGGCCTCTGGGATCGGGAGGCTGATCCACAAGCAGGGGTGTGTGTATGCCGCCTCC
TCCTCCAAGCTCCCCACAGCAGAGCAGCAATATGCCAATCCACGTGTATTTAAGGCGTCA
CATAGCTCGGCCTCTATACCTTGAGCAGCAGCAGTATTCATCACTGATCACCAGCACAGC
CGCGCGCATCCACCGTTGTAGCAAGGTCGACCAAGCAGCACAGAGATGGCTGCTGCCTTC
>EP35014 (+) Ft PEPCase; range -499 to 100.

TTAATGATGGATGATGTTAAATGACATCGTTTTAATACTAATTGTTTTTAATTTACAAA
ACTCTCAACAAATGATTAGTTGGGTTAGTTATTCATAGGAAAGCGGACGAGCATGTCGTT
ATAATTAATAAATATCAAAAGAGTAAACAAAAAAGGAAAAAGACTAATTATTTAGATAA
TAATAATATCCAAAAATATTGCAATCTTCAATCCTGAGTTTGTCTGTGGATGAGTT
TCTGTATCATTGATACCTTGATACCTGAATTCACACACCTCATATCTCATACTTCATCTA
TAAATACCCAATTCATTTTGCTCAAAAGTCTCAACACTGAGCATACCCAATATTCAGGTGA
TCTAATTTAACGTTTGCATGAGTATTTTCTTAATAAAATTTATGTTGGGTTTACAGTATC
TATTGGGTGGATTTCTTAAACGATTGTGGTTTGATTAATAAAAAATCTTAATGAGAAGT
TTGTGATAATATGCTGAAATGGGTTGTTTTGTGTTAATTTTTTCAGGGTTGGAGGGGAAT
TAAGTATTAAGCAAGGGTGTGAGTAATGGCTAACCGGAATGTGGAGAAATTAGCATCGAT
>EP11004 (+) Zm sucrose synthase; range -499 to 100.

TGTCGGATCACCGGCTTTTGGCTGCTCTACCAAATCAGCTGCAAGAAGATTAGAGCTCA
AAAGAATTACAGAAAGAGAGCCTTTTTCTTTCTTCTTGTGGGGTTCCTTTTCATTTCTG
GCTCTCCTTTCTCTGCCAGCAGTCCGTCCGTCTTGCCTCCACTGCACCTGCACACAGG
TCACCCCGACCCGCACTGTTCTAGACTCCATTAGAAAAAAGGTCTGAACTTTTCCG
AAACCAGCCAGCCATTGGTCTGGCAGGCCAGCATATGCTAATTGGATTTTTTGGCGCAT
CATTGAGTGCGCCATCAGGATTTGGAAATCTGGTTTTGAGTAATACTGTAATTTGGCAT
TATCCATTGCCGAGTTTCCAAGCTCCGTGAGCTTGAACGTGGACCCCTACCATCTGCACC
AGCTCGGCACCTCACGCTCGCAGCGCATGGAGCCTAGGAGCAGCTGCCCGTCTATTTATT
GGTCCCTCTCCCGTCCCAGAGAAACCTCCCTCCCTCCCTCCATTGGACTGCTTGTCCCT
GTTGACCATTTGGGTATGCTTGCTCTCCTGTTTCATCTCCGTGCTAAACCTCTGCTCTG
>EP14012 (+) Zm[waxy] UDPg-s GT; range -499 to 100.

GGAGAGCGAGCCGTGCACGGGGAGGTGGTGTGGAAGTGGAGCCGCGCGCCCGGCCCGCCG
CGCCCGGTGGGCAACCAAAAGTACCCACGACAAGCGAAGGCGCAAAGCGATCCAAGCT
CCGGAACGCAACAGCATGCGTGCCTCGGAGAGCCAGCCACAAGCAGCCGAGAACCGAAC
CGGTGGGCGACGCGTATGGGACGGACGCGGGCGACGCTTCAAACGGGCCACGTACGCC
GGCGTGTGCGTGCCTGCAGACGACAAGCCAAGGCGAGGCAGCCCCGATCGGGAAAGCGT
TTTGGGCGCGAGCGCTGGCGTGCGGTCACTGCTGCTGCTGCGCAGTGCCGGGGGAACGGG
TATCGTGGGGGGCGCGGGCGAGGAGAGCGTGGCGAGGGCCGAGAGCAGCGCGCGGCCGG
GTCACGCAACGCGCCCCACGTACTGCCCTCCCCCTCCGCGCGCTAGAAATACCGAGGC
CTGGACCGGGGGGGGGCCCCGTACATCCATCCATCGACCGATCGATCGCCACAGCCAAC
ACCACCCGCCGAGGCGACGCGACAGCGCCAGGAGGAAGGAATAAACTCACTGCCAGCCA
>EP35054 (+) Os AGPP ssu; range -499 to 100.

TGAGAATAACCACATATTATTGTTCTAAAAAACCACATATTTTATATGTGCAAGTATGT
GTCATGTGTGCATTTGTGCGCGCATGTTCCAGAACAGCAGCTTGCTATATGGCATGATCT
TATTTGTCTTGAGGAGCCCCACAAACTACTCCATGATTTGTACCCACGGTATAGCAGC
TTGGAACAGCAGAGATTTGGCATAAGAACAATTTGTAAATGTAATTTGTATGATATTGT

>EP35064 (+) Sv NMDH I; range -499 to 100.

>EP35065 (+) Sv NMDH II; range -499 to 100.

>EP35033 (+) Hv ACP synthase I b'; range -499 to 100.

>EP35035 (+) Gm lipoxygenase-3; range -499 to 100.

>EP35068 (+) So FNR; range -499 to 100.

```
>EP16014 (+) Np ATP synt.b' mit 1; range -499 to 100.
```

NNAACAAATGCAAGATAAT

ATGTTTTGATTCTTGAACAAAAATTTAATTTTAATTATGATTAACTACATGTTCCCGT
ACTATTAATTTTATAGATTAATTTGATTGAGTTGGTATAACTATTGAGTCTCACTTTGTG
AAAGTGTGGAGCACATATTTGAAAACATAAGGATGCCCAAATTATTCGCCAAATAAGTTG
GAATAAAAGCGAAAAAGGAAAAACAAAGAAGAAAAAGAACAAATTCAAATGCTCCTCGGTT
TTTTAAGCACAGTAAATCAGTAATCGGATCACAAAGTGGGCTCTTGATATATCAGCTCTT
CACAAACCCTAGCAGTCTCTTTCTCTCTTTCTCTCTACTCCTTTCACTCTCTCTCTA
GCCAAACCCTCCACCATGGCTTCTCGGAGGCTTCTCGCCTCTCTCCTCCGTCATCGGCT
>EP35013 (+) Cpe ACC synth. ACC1A; range -499 to 100.

TAAATTAAGATCATAAACGTAATATATTTTAATCGAGAACGTAATACAGGACATACAGA
TTAAGAATTCAAATATTTTGAATTATAATGAATTTGATAGAAAATAAAACAAAACTA
AAAAATAAECTTAGTAATTATGATGAGATAAAAGAAGATTTTGTGACATGATATTTTGT
TATGTTCCAAATCTAGAGTATGCCTCCACACATGCGGGGTGCGGCTCGGCTGTGTGTGG
CTCGTCTGCTTGCTTGAATCACAAACCCTCCACGCATGCAATTACGCCCTCCTTGACTCAA
ACCCCATTTTAACTCTCTCTTCCATTTTATTATTTTCTTTAATTTTTTTCATCACTG
TTTTTTTTTTTTTTTTTTCATGGTTTGAACCTTTGAAAAGTTGAATTTTCTACACGTTT
GATTTTCTGGTAAGAACCTTGATCTTGTGGATCTTCTCACTGCTTATAAATTCACCTCA
ATTCTCTTCTTTCTTCTATCTTACAACCCAAACCTCTCATTTTTTAGGCACATCTCAA
CAACTTTCAAATGGGGTTTCATCAAATCGACGAAAGGAACCAAGCTCTTCTCTGAAGAT
>EP35029 (+) Le ACC synth. ACC2; range -499 to 100.

GGCTAGGGGTAAAAATAATTAACATAAGAAATTTTAAAGTTTTAATTGCATTTTTTT
TGTGTTGGGGAGGGGCGGATTTGGGTTGGATAAGAAAAATATTTAAAGATAAAATAGA
ATTTTGGAAATATTTTCTTAATTTTGAAGGAAATCATTTTCTTAAATTTGAGAAA
AATGAATTATTTCTTAAAAAAATTTCCAAAAACATTTAAGCTACCAAATATGAAAAATA
AAAAATATTTTTTCTTACCAAATGCACCCTAAATTAGTCAAATATCCAACATTTAAAA
GAGCTATGAAAAAAGAAAGTAAGAATCGTAGATCTTCTTTAATGCGTACTTTTAT
TTTCCAAGATTTGAACAATAAAATAGACTTTTCTATTTTATTTTCTGATGTAATTCTTA
TATACGTTAGTCGACATGTTCTCATTACATACTTCAGTCTTTCCCTTATATATATCCCT
CACATTCCTTAATTTCTTACACCATAACACAACCTACAACAAACACATAATACTTTTAA
ACAATTAGTTATTTATTAGAAGTATTTAAAGTAAAGCACTTGTGAGTTGTGTACATTTTA
>EP35019 (+) Hb HMG-CoA red. hmg3; range -499 to 100.

TTTTTATTATTTTATTATTATTATTATTATTATTTTATATCATTATCATTTTTT
TATGCACTTAATTGCTAAAATACTATTCTCATAGATAGGTGGTAGTGTGTTAGGTTTAAATG
GCTAGGTAATGATTTGGGTTCCAAAGAAATAGGAGATTAAGGTTCAAGGGGGTTGCA
AGGGTTAAAATGAAATTTAGGTAGGTTAAGGCTAAATGTGAGGTTTAAAATATGAAGGAA
TGCCTAAATCATATTCTTATCAAATGCAAGTTAAAAATTTGCTTTGAAAGATCTAAGAT
GCTTGTCTAGGAATGGTGAGACGACAATGACCATTTTCTTCTTAAAGGCTTATCCAGA
CACTCAAACTCAAAATACTAACTAGCACTGCATACCTAAATTGATATATTAATTTTCA
GCTATTAAGTAAGAGAAAGAATAATGCTTAAGACTTTGTACCCAGCTGGAACCTTTCATTC
CACTAACCATCTAAAGGCAAGCTGGATTGCTTGAATAAGTGCTTATGGAATTCGTTCT
CAACCCCGTCTTTTATTTATTTTATCCATATATGGACGAGGTTGCGCCGCGACCCCCCA
>EP35049 (+) Nt EAS; range -499 to 100.

GTGTGTCGAGCTCGGGACGTTTGTACATGGCTGGACGGGTTATTCGCCGCCATCAACGT
GTCGCCGCCAATCGACGAGCGCGACTTTCCAGAGACTTTAGCGTGCCACGGATCAATTA
CATTAAGTAGTCTCTACCACTATATATACTTGTCCCTTCTCTTCATTTAAGTAGAGTT
CCTTTCTTTCTTCTTAAACTTAAAGAACAAAGTAAAAATACACTCATCTTTAATTAGC
AATGGCCTCAGCAGCAGTTGCAAACTATGAAGAAGAGATTGTTGCCCCGTCGCCGACTT
CTCCCCTAGTCTCTGGGGTGATCAGTTCCTTTCACTTCCATTGATAATCAGGTAATTTA
ACTAATACTAGTATTCTTTATTTATTTATAGTTTGTCTCCATTGATAATCAGGTAGT
TTATTTATGTTGAACAACATTAATTTTGTCAATTTCACTTAAATGTACATTACATATAGG
TTGCGGAAAAGTATATATATGCTCAAGAGATTGAAGCATTGAAGGAACAAACGAGGAGTA
TGCTGTTAGCAACCGGAAGGAAATTGGCCGATACATTGAATTTGATTGACATTATTGAAC
>EP11005 (+) Am chalcone synthase; range -499 to 100.

TCTTAAACACAAATTAGAGTTAGCTTCGGCGCCCGCGGTAGAACTCCCGATAATCACT
TTATTCTCACTTCTCCATTTTCAATTTAATCAACACATGTAATATATAGCTACGTACAA
TAGGTCAGTTTATACTATTATTGTTGACATGATATAGCACACACAGGGGGGAGGGGGGCG
TTGTCACATCTAGGGGCTATAATATATTTTTTTTTTTTATTTATGAATAAAGGCTATAGTT
AACTTGTATGGTACTTGATTGACAAAATTTGTTTCTACCTATTGGGCAAATTAGGTA
CCAAAAGGAAAATAATGTAGATTGGTTTGAGAGGTGAGTACTGTAAGATAAAATTCCAACC
CATGTACGTGCCAACTGACCCGTAGCTAAAGTTGTTGGCGTCACATACTGACCTTGCCCT
TTGCTAATAACCACGTATCTCAGCTACCATACTTGGTACCATCATTATAAATTCATTGAT
ACATTTTTAACTTTGACTCACTGAAAAACACTTGTCTACAACAATCATCTAGCACAAACC
ACTTCCGTCACCGCGGAATTATCAATTTTATAAGAAAATGGTGACTGTTGAGGAGGTTGCG
>EP35074 (+) Ath chalcone synth.; range -499 to 100.

AAATGAAGAATGAATATTAGATTAGTAGGAGCTAATGATGGAGTTAAGTATGCACGTGTA
AGAACTGGGAAGTGAACCTCCTGTATGGTGAAGAACTATACAACAAAGCCCTTTGTTG

ATTCTTAAAAGTGAGCAAAAGCATCGGCAAATGCACACCACAAATTCTTTTTTCTAAAAA

AGAGGCACCTTTTCATTCAAAAAAGTCCCAAATTTTTTCATCAGGTTGGTTAGATTACTCGTGA
ACACGACGGCGGTTTCAATTTTGAAAGTCATAATCATCGTTCCTGTTTGGACCACGGGC
AATATTATCGCAAGAAATAGTTTCGACCCATATAGAACTAAGAGAAATTATGTGTTTCAA
ATATGGCCCTTCATTAATTTTGCCCAAATATGATAATGTAGTGATGTTCAAGTGCACATG
AAAAAACCATTCTCCATGGAACAAAAAAGTAAAGTAGGATGGAAGTTATATATCTTTTTT
TTTTATAGATCCACCATAACAAGCCACCAACCCACTAGGCAGAGGGAGAAGAGAGGA
AAAGGCCCTTACCTACCTACACCCGCCACCCCGTCCACCGGCCACTATTTAAGCGCCCC
CTCCGCTCCATTTCCCTCCAAGAAGAGCTCACTACCTTCTCCTCCGCTCTTCTTCAGT
ATCGAATCCTCTCTTCTCCTCGTGCCACCACCACCACCGTAGCAATGGCGGGCAACGGG
>EP35057 (+) Pc PAL-1; range -499 to 100.

TGTACTAGCANTGAACCCACGTAATATTGAAAGGACATCTATAAATATTCCACTCATTCT
CACCAACTCAAACAAATTCAGTGCAACGAATATGAATATAAATTCCAAAAATACGGTAAA
TAATATAAATATTCACTTAATTGCATATATAAATTCCACCAACCGCAATATATTTCTTT
TCTCATGATATCCCCAGAAGTCAATTCTAATCTAGGAGTAAAAAATCCTGTTCAAACCC
TTGTCCACGTCAACGCAGATCTCCACCGTCCATTAACAAAAACAAGTAAATCCAACGG
TTGAGATTAATCTCCAACAACCCCTTCTATTGGCCGTCCGTCACTCAACCCACCCCAA
CCTATTTTCAAAGAAATCATATTCTCACCTACCAAAATACACTCTTTTATTTTATATAC
AACTATAATGTGAAATTACCTTTTTACCCTTCATGTCATCCTAATTCTATATAAACCACT
TCTCTTAGCTACCACTTCTCAGGAACCTTGTAACAATTTTCATATCATCCAATTTCCCTTG
TATCTATCAATTATATCTGCAAATTTTGATTGATATATAAATTTTTCAAGTACATTTTT
>EP58020 (-) Pc PAL-2; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NNNG
GATCCCGGAATTCTCGATCTCCACCGTCCATTAACAAAAACAAGTAAATCCAACGGT
TGAGATTAATCTCCAACAACCCCTTCTATTGGCCGTCCGTCACTCGACCCACCCCAAC
CTATTTTCAAAGAAATCATATTCTCACCTACCAAAATACACTCTTTTATTTTATATACT
ACTATAATGTGAAATTACCTTTTACCCTTCATGTCATCCTAATTCTATATAAACCACTT
CTCTTAGCTACCACTTCTCAGGAACCTTGGAACAATTTTCATATCATCCAATTTCCCTTG
ATCTATCAATTATATCTACAAATTTTGATTGATATATAAATTTTTCAAGTACATTTTT
>EP58021 (-) Pc PAL-3; range -499 to 100.

TTGAAGACAGCAACAGCAGCTTTTTCTGAAAAGCAGGTAAAAAATGTTTGGTAATTTT
TTTTTTTCACTTCTACTAATCCACAACATAAACACACACAACTGAACACGAAAGAGCA
TGACAATAATAAATCCGCATTAAAAAAATTCCTCACCAACCGCAATACCAAAATTTCTC
ACTCGTGATCTCATAGCAACCCAAAAGAACCAGGTAAAAAATCATGTACAGACCAAAACCC
ACGTCAACACAGATCTAAACCTTGATTAACACCTTAAACAGGTAAGATCAACAGTTGC
GATCAACTTCCAACAACCCCTCCTTATGGCCGTCCCTCACTCAACCCACCACCCTATTG
AAAAAATAAATAAAAAAATAATCATATAATCCACCTACCCAAAATCTATACATGTTT
TCATACACTAGTACTATCTACCCCTCTCTAGCCACCTCACATTCTATATAAACCACTT
GTCTCAGCTACCACTCCTCAGGTTCCATCTCCACATTGTACCTCTCAATAAATACACAT
TTACATTTGCTATATTGTTCTCTATTTATTTGCTACATTGTTCTTCATTCAATTATAAGT
>EP58022 (+) Pc PAL-4; range -499 to 100.

TTTTACACGAAATTTAAATATATTGACTATATAATTCGTTGATTATTTTTTAATTTACA
TAAAAAATATTAATTATTTTTTAATTTTTTAAACATACATAAAAAATTTAAATGTACAAG
TAACCTGCGACGAAGTACTAATGTAAATATCATTGTACAGAAGAGCGAAGATACCTGT
GAAATTAATGGAGAATCAACTGAGAAAAAGAATCTTAAATTTCTACCAACCCCTGGTCT
TTCAAGTTTATTTGAAAATCTCCACCCCTAATTATTTTGAAAATCCAATGGCTCAAAGT
AATCTCCAACCATCCAATACCCCTTTTGTCTTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTT
GTTACCTACCCCAATACAAAAAGGAAATTTAATAAATTTAAAAATAAAAAAGAAAAAAGTA
ATGCACACTCCTTCTCAAGTCTCGTAGTCTTACCAACTAGCAACTCCACTATATAAAACC
AAGCGCATTCCCTATCATTAATCAGGAAATTGGTTAGTATTCTTCGATACACATTCTATC
CAACTTCCAGCAAACATTGATACAAACATAAATACACACTTAGACAAAGCACATCA
>EP35060 (+) St PAL-1; range -499 to 100.

TTGTCTCAATTTATGTGACATATTTGTTTATCGAGAGTCAAACAGTTTAAAGTTTGATCG
AAAATTTACACATGAAATATTAAGAAGATATATATATAAATACATATATACAAAATTT
ATAGTAAAGGTAGCCTATTTGAATCTCGGAATGTAAATGTGTACATATATTGGGATATA
AAAATATATATTAGTTGTTAAATTTGACTCATACTGAATTTGGCCGATTAATCTTGACCA
ATACAAATAAAATATGACTTTAGTCTTTTCTAGCAACTTAGAATAAAATCCATTATACT
AAATACTATTATTGTTCTTCCAACAACCACCATTTTAGTCTTTTCTAGCAACCCCTCT
CACATATTTGTCATTGTTCTCTCTATTATACTCACCACATATCCCATCTCCACAACAAC
AAGAAGAAAGTTTATAAGTTCATAATATTTTTTTTATTATCATATATCTATATATACAA
ATAAACTCTAAGCATTTTCTCTTCACTAAAATTTCTTGATTACTCTTCTTGATCCAATG
GCACCATCAATTGCACAAAATGGACATGTTAATGGAGAAGTAGAAGAAGTTTGTGGAAG
>EP35061 (-) St PAL-2; range -499 to 100.

21/812

[illegible]

ACCCCTTACGGGAGGTTTGAGGGACGGCGTTGGAGATATCCTTAGCTGTTCCGCGGTTGGT
TTGTGAACCCAAAAGGTATATCCTGCGTAATATTTCTGTTACTGCACCACATTAAGAACA
GTTTATATGGTCTGCATTGAAATATCTGCGTGCAAGTGACAGGTGTACAGATACATTTTG
CATCGAGTTCGTTACCACGGAAACATGAAAAATCTTGCAAAATCTTGCAAAATCTTGAC
TATGTTCAATTGGAAAATCAGTTACTCAAAAAAGTAAAGGGCAACGCTGGGTGATCCCAG
CTTGATAGTGCTATCTTTTCCCATGGAATTTGTGCCGGCCCGGATTGACTTGCCATCAT
CTGTTGCACCTTTTCTCGTAACAGAGTCTGGTATCCATGCAGTGCCTCCAAGCAACACTC
CACGGGGACGTAGCTCGTGTTAAATACCGCTGTGGCATCGACTTCCTATAAATACCAAGC
ACGTAGAACTCTTGTAACCATCAATCACCAGTCTTGTAATCATTATCCACAGAACAAG
AGTGCAGCGAACAGTGTGAGATCGACAGTAGCGCGCGCGATGGGGAAGAACGGCAACCTG

TCTTGTTTACTGTACTAAAAATATTTTTTATTTTTATTTTTACTTGTCGTTACTCC
TCCGTTTCATATTAATAAGATACCGACATATTTTTTAATTTGAAAAATATCAACTTTA
AACTCTTTTATTTTATTTTACCCTTAATGAAAAGCTTTTATAGCCACACAAATGTCATG
GCCCCACAACTTTTTACCCCTTAATCTTTTAAAGACCACAAATTTCAAAGTCTTTTTT
TTCTTAAACTCCGTGTCGAGTCAAACCTAACTCGTATTAATCTAATATGAACTGAGGGAA
TATATTGAATCATTCGCCAAATCATTTCTAAATTTTTTAAAACTACTACATTATGGATA
AAATTATAAAATTACTACTTCATTTTTGTAAAGGAATATAAAGTGACAATAAAAAAATG
AGCGAAGGAGTAGACATTAAGCCATGTCTCCATCATCTTCTTACCAATAAATACCTTGC
ACTTCGCCACTTTACTACTACATCAAAAAATGAGGCTTAGAGAATTCACAGCTCTTCTTC
TCTACTCTTTCTCTCCTACTCCTCTCTGCCTCGGCAGAACAAATGTGGTTCGAGGCGGG

GATGTCAGGGACACTATATATTACTCCCTACATTCACCTTTTACTTTGGCATGTATACTAA
AAATAAATTTTTCATTTTTACTTGTCACTTTACGCATATCAATATCAAGAGAATAAATTTT
TTTTCTGTTATACCCACAGTATTATTACTCATTTCAAATTATTTTCTCAAATCCAAT
AAAATATGCATCAATTAATATGGGTATCATGGTAAATTATGCACTTCATTTATTATTTCT
TAAGGGGCGTGAAAAATCGTGCAATGTAAAAGTGAAGTGGGAGAGTTCAAAAACCTAAGA
GCCGCCTATTAATATTTGTAAGTGTCAACTTAAGCTGGTGAATAAAAAATTGGATAAGG
CAGGCTATGAGATTATCCTTCTTTATTGAACAATATCTGGTCACAAGTCACAACACTAT
ACTAGACTTTATACGATGTCTCCATCAACCTACAGGGTAGATGTATATATATATCCCCC
ACTCCTTTACTTGCTTGCCATCTCTTCTCACCAATTTATTACGCTAGTTAAAAAGGTCA
AAATGAGACTTTTGGAGTTACAGCTCTTTCATCTCTACTAGTCTTGTTTCTGCTCCTGG

ACATGCTTGC GTGGGTGAAATGCCATGCAATGCTACAAC TTTTCGGCTCCCTCCTGCTT
CGGTGCTTCCATATGCCCTGCACGGCGTCTAGAAACCTAATGATT CAGCAGCACACCTG
TCCGCCTAGCCGCCTACGCGTACACAGAAAACAAAT TTTTGTCCACACACGCGCGCGCT
CCGAGCCGAGATCCGAGCTAGCGCGGCGCATCCGACGGCCACGACAGCGCGGTGCCGTC
CTCCGCCGCCACCGCTTGGCGCTTGTCCGACCCCCCACCAGTCCACCACCTCCCCACG
AGCGAAAACACGGTCCACGACCACGGCTATGTTCCACTCCAGGTGGAGGCTGCAGCCC
CGGTTTCGCAAGCCGCGCCGTGGTTTGCTTGCCACAGCGGCCAAACGACACCTCCTT
CCCGTCGTTTCCATCTCTTCTCCTTTAGAGCTACCACTATATAAATCAGGGGTCATTT
TCTCGCTCCTCACAGGCTCGTCTCGCTTTGGATCGATTGGTTTCGTAAGTGGTGAGGGA

ATATTTAATTTGGGTA AATATCAGATGCCACAAAACATTTACCTAGCCACTGTTTTTGAC
TACTAAAAATTTAATTATGTTTAGCTTGGGTA AATATCAGATGTCTACTAAACATTTTACC
TAGCCATTCTCTCCGAAAAAGAAATTGAGAAGGAAATTAGAGTTAGTGGAGCCATAATAATG
TTTAATGTGACCATAACTCGGTGAAAACACGGCAAGAATAAGAAACAGCTGTTAAGGCT
AACCACAGCTGCATATCTTTAAGCCATTTGCTATTACCCCAACATCGCATCTCTCTCTG
ATCCCGACCCCTACGGCGGTAAAAAGTGAATCTGGTAGAATTGTTTTATTTATTTATGA
TGTCACTATTTTTTAAATCAAAATTAATTTGGGTTGCTGATTTTTTTGGGTCTCTCTTA
TGTATAGTATGGCGCTATGGAGGCATGAGAGAGTCCGAAACGTTTCTATATAAGGCCAC

24/812

AGATCGAGGCACCGGTGAGCCGGCCACGCACGTGACCGCGCGCTGCATTTAAATACGC
CGACGACGGAGCTTGATCGACGAGAGAGCGAGCGGATGGGGAGGAGGGCGTGTTGCGCG
AAGGAAGGCGTTAAGAGAGGGGCGTGACGAGCAAGGAGGACGATGCCTTGCCGCCTAC
>EP6002 (-) Zm[C1-I]; range -499 to 100.

CGCGCGAGGGTGAGATAGAGGATTCTCCTAAAATAAATGCACCTTAGATGGGTAGGGTGG
GGTGAGGCCTCTCCTAAAATGAAACTCGTTTAATGTTTCTAAAAATAGTTTCACTGGTG
ATCCTTAGTTACTGGCATGTAAAAATGATGATTTCTACTGTCTCTCATATGGACGGTTAT
AAAAAATACCATTATATTGAAAAATAGGTCTCTGCTGCTACACTCGCCCTCATAGCAGATC
ATGCATGCACGCATCATTGATCAGTTTTCTGTTCTGATGCAGTTTTCGATAAATGCCAAT
TTTTTAAGTGCATACGTTGCCCTTGCTCAGCACCAGCACAGCAGTGTCGTGCTGCCATG
CATGCACTTTAGGTTAGGTGCAGGGCCTCAACTCGGCCACGTAGTTAGCGCCACTGCTAC
AGATCGAGGCACCGGTGAGCCGGCCACGCACGTGACCGCGCGCTGCATTTAAATACGC
CGACGACGGAGCTTGATCGACGAGAGAGCGAGCGGATGGGGAGGAGGGCGTGTTGCGCG
AAGGAAGGCGTTAAGAGAGGGGCGTGACGAGCAAGGAGGACGATGCCTTGCCGCCTAC
>EP35048 (+) Nt TGA1a-re1. G13; range -499 to 100.

AGTCTTTATTGCCAGAAAAGTCAATAGTTTATTCTTTTCATTTATTTTCTGATTGATTAA
AAGTTTGAGAAAATGAAGCAGCTTAAAGTTTTGAATAAGTTGGTTTGTTGACCTTTTCAT
CCTTTTCTCTATAGTGTCTGAATCAAACAGGTTTTCTGCTTTATGTATATCTGGTGATT
TGACTTAAGTTGTATGCTAAGTAGAAGATATTTTGAGAAGAAATTTGAGAATTTAGGTGC
TTTAAATTGCCTTTGATTGTTTCTGTGAATTTGATCCTATTCTTTGGTCTGCTGAGTTTG
AAGTCAGAGAAAAGATCAACTCTTTTAAATTGGCTTTAGCTGCTGGTTTGCTTTTGATGAC
TTCAAACACGAATCTAACGTTGATCAGTCTTGTTTTATTGAAGTCTGATCTCTTTCTTACT
TTCCACTCCTTTCTGGATGGTAATGACTTAAAAATTAACATGTGGCGCTTGCTAAATT
CTTGACAATTAGTAGCTGACTTGTTTCTTACTAAAAACAGTCCAAAGATAATGAATTCAA
CATATACTCAATTCTGTTGCCCTCTAAAAGGATGGGTATATGTGATCCAATCCATCAAATTG
>EP35059 (+) Os PCNA; range -499 to 100.

AAATTCATACATACTTCTCCTCGTTTCAATGTAAAGTCGTTCTAGCATTTTTACATTTA
TATTGATGATAAAATTTTATCTAGATTCTAAATATGAGAAATGCTAGAATGACTTACATT
GTGAAATGGAGAGAGTAAAAAAGAAAAATAATTCAAATCATTGGAGGGAAATGGCCAAG
CTGTGCGGTGAGCGAGATGGCGGAAAGGCAATTCATCTCCCGCCAGCTCCAGAACCA
CCCGCCCTTTTCAAATCACCAAGACCAAGCACCCGTCATCCACTTCTCCCCACTGCCA
GGTGGGCCGTACTCCACCATGGTCCCACATGTCAGTGAATCTTCCACTGCAAGAAGCG
GGAAACATTTCCGGTGGAGGCGGGTTTCCCCCAATTTCCCTCCATTTTGTTCGCTCG
TTGCGCTCCCCCAAACCCCTCCTTAAATCTCCCTTCCCTTTCTTCCCTCGCCG
CCGCTCCTCTCCCAAACCCCAAGCGAATCTAGGGTTTCTCGCCTCGCCGCCGCAT
CGCCGCCGGGAAGTCTCGCCGCCGCCGCGATGTTGGAGCTGAGGCTTGTCAGGGGAGC
>EP35008 (+) As phytochrome phy3; range -499 to 100.

ATGACATCGATGTAAGTGTGTAAGAATAATAAATCGTGCCTGGTTTGATTTTGAA
GTAAATTTCTTACCGCCAAGGTATGATTTACGGCTTAATCCACTTCGAAATATATATTGT
CATTATCGGTGGAAGTAGCAATGTAAAAATAAAGGGTGAAAGAAGACACATGGAAGG
AGAACGGAAGGCTGGAGAGGAGGAGGAGGACACTAGCAGAACGGTAAGAAAAGAGAAG
TCAAAGCAGCAGGGTTCGATCAGCCGTTGAGGAAAGGGAACAGCACCTCCACGGGTA
AAGAAAGAAGGATCAGACAGAAGTAGGTTAATCAATTTAGGTTAATCAAAGTGGAGATC
GGAAAGGCTGCGCCCAATTAAGCGTCGACAGCTCCCATGGCTCTCCCATCCGCGCCGGTC
ATGGGCGCGGAACAAGGATCGGCGCGCCACGCCAGACTCGCCGCTATATTTATATTGCT
CAATGGACAGCCATGGGGCTCCAGTCCAGACCCCTGACCCCTCAGTCCACTCCACTCCT
GCTCCTCTCCGCTCCACCTCTCATTGCCGCGCCGGTAGCAGGTACCTCCCTTTCCG
>EP07007 (-) Gm hsp 17.3-B; range -499 to 100.

NNNNNNNTCGAGAAAAAAATTCATTATATTATTGATATAAAATATTCATTAATTTTAT
CAATAATTAATTTATATTATTGAGAAATCTAGATAGTCAGCCTTTTAAGAGATAGAA
TTTAAATATAATTTGCGTAAACATTATTAATAATACAAATTTATAAATTAAGTTCAAC
TCATCCTATCTCACTCTTTAAATACGATGTTTACTTATTAGACTCATTAATAAAAAAAA
AAAAATCATTTGTACAAAGCCACCATAAAGGCAATTTGGGCTGGTAGACCAATCCTAA
CCAATGTCTGGTTAAGATGGTCCAATCCCGAACTTCTAGTTGCGGTTGGAAGAAGTCCA
GAATGTTTCTGAAAGTTTTCAGAAAATTCTAGTTTGGAGTTTTCAGAAAGTACGGCATGAT
GATGCATAACAAGGACTTTCTGAAAGTACTATATTGCTCCTCTACATCATTTTAAATAC
CCCATGTGTCCTTTGAAGACACATCACAGAAAGAAGTGAAGGCATCGTTAGCAGTTTTGT
AGATTCAACCTCAATTTGCAGAGTTACGTTCTAATATATTACACAAGACTGATAAGAGA
>EP16019 (-) Gm hsp 17.5-E; range -499 to 100.

TATGTATTATTTGGGTGATTATTTTATTAATGTGATACTTATTTTATAATAGAGGTA
ATATATATTTTTCCACTTCAATTCCTCCTCTATGGTTTCAGTGTTTTGTTGAAATTTT
TTAGATTTCTTTAATTTCTAAAAAGTATTTTTGAAAAACAAACAATTTCTAAAAAA
TACTTTCCGTATTTATTTATCTGGACAGTAAAAATAAATAATTTTTCAGAAAGTGCATT
ACGAAAATAACGACTTTGAAACATTGTTATAGGTATAAAGAATTTCTATATGATGATGAA
AAATAGAAAAACCTACTAATGTATTTATGAATGATGTCCAGAAGTGAAGAAAAATAAAT

AACTGTTACAACCTTAACCCGTTTTAGATAATTTTTTAAATATACCCCAATGAAAAATT
GCGGATTATTTTATCCCAATTGGTAAAAAAGCACCTGAATACTAGAAACAAGGGTGGCA
AAGATTCAAAGTAAATGAATTTATAAAAAAAAAAAGAAAAATTTTATATATTACACAAA
GCTTAAAAAATGTTGTATTATTACTACTAATTTATAATTGCAATCGAGTATATTTAAG
GCAAAGTCTCTACGCGGTTTACGTAATCTTTACATCATTTTATTTTCCACGTTTGT

ACTCTGAGGCATCTTCTTGATAGGGGAAAGTTTTTTCATATTTTTCTAGATCCTTCTCA
TGTGCAATGTCTCCGCATTCATACGCAGCAATCAAATGGAATTAATACACGGTAGCACI
TTCCCATTTTTTTGTTATCGTCCCCACTATTGACTATACCCATGATATGTATATAGGTAT
ATCTTTTCTAATTGATTACGTATCTGCTGAATACTAGCTAGTCCTGATTCTAGCTCTAT
AAAAGGAGAATACCATAGGAATTCATCACAGACAAACAAACAATTTACCAGCTATACTTG
>EP30085 (+) Gm hsp26-A P3+; range -499 to 100.

TTATTTTATCCCAATTGGTAAAAAAGCACCTGAATACTAGAAACAAGGGTGGCAAAGAT
TCAAAGTAATGAATTTATAAAAAAAAAAAGAAAATATTTATATAATTACACAAAATCTTA
AAAAATGTTGTTATTATTACTACTAATTTATAATTCGAATCGAGTATATTTAAGGCAAA
GTTCTCTACGCGGTTTACGTAATCTCTTACATCATTATTTTTCCACGTTTGTTTACTCT
GAGGCATCTTCTTGATAGGGGAAAGTTTTTTCATATTTTTCTAGATCCTTCTCATGTGC
AATGTCTCCGCATTCATACGCAGCAATCAAAATGGAATTAATACACGGTAGCACTTTCCC
ATTTTTTTGTTATCGTCCCACTATTAAGTACTATACCCATGATATGTATATAGGTATATCTT
TTCTAATTGATTACGTATCTGCTGAATCTAGCTAGTCTGATTCCTAGTCTAGTCTATAAAAG
GAGAATACCATAGGAATTCATCACAGACAAACAAACAATTTACCGACTATACCTGTGTTCTT
TTTGAAGGTTAGAAGTGCTACAATACAAACAATGGCAGCTACTCAGGAAGATGTGAAGCT
>EP14014 (+) Zm hsp 70K; range -499 to 100.

[illegible]

ATACATGATCAGAGTAGGTGACGTGACGACATGGCCGCACACACCGGCTCTCTAGTCATG
GACCATCTTGAGCTCAAAGGCTCAAAGCTCAGCCACATACAGCCAGGCGAAAAAAAAA
TCGAAAACCTTGTCAAATATCTGTAGCAATAACCAATGATATCTCTACTAGTCATCTCAGC
GGCCGGTGGCACGCGAACCAGGATTATATCAAACAAACACCACCGAGCTTGCCATCGTCA
CGGTACCAGACTCCTGCGTTCCACCACTCCACCAAGTGACCGTGACGTGATACATGGAGAT
AACGCCGCCTGGCAACTGGCGAGATAATTAAAGAAACCGGGAAACACTGGTTCCAACCGC
TCGCTCGGCTCGGTTCCAATTTCAAACGTGTGCCCATTTACACCGCTCTCCATCCATC
TCATCTCGTCTGCTTTCCCCCGCGAGTCCGCGACCCCGCGCTATAAAATCAAAGGCC
CGCATCGAGATGCGGAAATATCAGATGCGCGGATTGGTAGCCGCCCTGCTCGTGTGCAT
TCGCTAGCCACGCCGTCCGCTCAGGCCGAGGCGCATTCGCGCAGGGGGAGAAGGGGAGGAG
>EP35051 (+) Os oryzacystatin II; range -499 to 100.

[illegible]

NN
NN
NN
NN
NN
NN
NN
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTGTAATAAGCCAACCTAACCTCATCAAACACGGGTTC
TTTCTCATCACACTGACGGA AACCTAAGATGGGTTTGAAATAACAATGGTGGTGTTA
AAGGTGTGTTTCTTGTTCTTTCTGTGGGGTTACTAATGCACACATGGA ACTGGAC

>EP35028 (-) Lpe protease inh. I; range -499 to 100.

ATTTCGATTTTGAAGTTTAAACATGATTTTACTTAAATAATCTTATTTTGGGGAGAAGA
AAATAAATTGAGGAAGTTTGTAAACATATTTATAGAGTATGTAAATGCATGCATGGTTGAAA
AGCATAATAATTAGGTACACAATATATCAATATCAAGTACCTATAATTATAAACGCATT
ACATGAAGTTCAATTTTCATGGTCTCCCTCACCTCTCGTATATAACTTTAAAAAATAT

ACTCCCTCCATTGCGTAATTGTTTGTGTCATGTTGCGCTTATCGAAAATTAATTTAATTAATT
TTTAAAGATAAATTAATTAATCAGTTAATTTCGATATTTTAAACATAAAAAATAGATATCCTAA
AACTATATAAAAAGTACAATAAATTACAATTTTTTCCATATCTTGAATTGTTCAACATGT
GGTTGTTATACACTAGCACCTCACTACAATGAAGGCACCACATGCCTATAAATTAATGTG
ATACAACCTTATACAAATTCCTCAATTCCTTCTTTCGCTTTACAACATAAAACAAAATGGAG
GCAAAGTTTGCTCACATCATTCTGTTCTTTCTTCTTGCAATTTGTTAGTACCTCTCTCTT
>EP15003 (+) Le protease inh. I; range -499 to 100.

ATTTAAAAATAAAAAATTAATAATTCAAATGATAATACATAAAATCAAACCTGAATCGAC
TGATACATACCCCTATCTAAATCCACTTATATCTTCAATTTCTTTAAAAAATGAGCTTA
CAAATCCTACAAGTATTTTATATATTTATAAATCTTCTATGTTATTTTCTAACAATATCA
CACAAAATAAAAAATTAATAAAAAACCTATAAAACTAAAAAATAATTTATAAACGACTATA
AAATCAAATCTCCCGCTTCGCCCTTATCCAATTCAATATAGAGATTAATGGTAGTAAT
ATGTGTCCTCCACACACATTACACGTCCATTCAATTTTCAATGTCCTCTCACTTCTCGT
ATATCAAAACATGATATTTTTTTCTTTATCTTCAATTTGTTCAACGTGTGGTTGTTAG
ACACCACTAGTAGTATCTCACTACAATGAAGGCAACCTTTGCCTATAAATTTGTGT
GGTGCACCTTTACAATTCCTCAATTCCTTCTACTCTTTACAACATAAAACAAAATGGAG
TCAAAGTTTGCTCACATCATTGTTTTCTTTCTTCTTGCAACTTGTTAGTACCTCTCTTTC
>EP16020 (-) St protease inh. I; range -499 to 100.

TTTAAACAAAAATAGTTAAACAATTATATTTTCAATTTCTATGGAGGAAAATGATCTC
CTAAATCCACTTAGCATTTTAATTTTCTTTAAAAAATGAGCTTACAAATCCAACATGTA
TTTTATATATTTATAGATCTTCTATGTTATTTTGTAAAGTCTCCTTTCAATTAATTTT
AAAAAACCTATATACAACAGAAAATTTATAATGACTATAAAATTAATCTCCAGTT
TACCTTTATTCAATTTATAATATACCGATTAGTGGTATTAGTGTATATGATGTGCCCC
ACAAACTACAGGTGAATTAATTTTCTTTCTTCAATTTGTTCAACATGTGGTTGTTAG
ATATATCAAAACATAATCATTTTTTCTTTCTTCAATTTGTTCAACATGTGGTTGTTAG
ACACCACTAGTATATAGTACCTCACTACAATGAAGGCAACCTCTGCCTATAAATTTAAGT
GATGCACTCATACAAATTCCTCAATTCCTTCTACTCTTTACAACATAAAAGAATATGGAG
TCAAAGTTTGCTCACATCATTGTTTTCTTTCTTCTTGCAACTTGTTAGTACCCCCCCCC
>EP11007 (+) St protease inh. II; range -499 to 100.

GAATAGGAGAAATTAAGATAGCAACCAGGAAAAGTTAAGAGCTTTTGCTCCTCCGTCC
AATTATAACCGTCCACTATATATATTTGAGACTCGTATTGAGAAACAATAAATAAAGA
ATGATATTACTATATTACCTTTGAATATATTAATTTAATGCTTTGAAAAATATATTTG
ATAATGAATAATATCTAATAGCAGCAAGAATAAAATAGACACAAACAAGTAAATTTACTC
ATTGATCTTTCAAATTAGACAAGTATTATCGGACATCTACTTTTAGTATAGTAAACAAGT
AAAGATCGGATAAAGAGAGTAATAAAGAAGAAGCAAGCGTAAGTACCTTGCCAAAATAAT
TAACTAACAAGCACATCTTTTTTTTTTTTATCAAATATTAATAAAAAATAATTTATATTAAT
ATGAAGAAAAAAGGTTTTAGTTTGCTATCTTTTGATCACTCGTTTGCTATAAATAGG
TGGAGGAGGACAGACACTCTTACCCCCAAATTAAGAAAAAGAGGCAGTACTAATTAA
TTATCCATCATGNN
>EP17010 (+) Nt PR1a; range -499 to 100.

CGGCCATGTTCAAGTTTTCCACAATATTGAGAAAAGAAAGAAGAAGACAAACTGTGT
TTGGTATTATTATAGTTTTTTCTTTTAGAGAATTGATTGTACATATAAGAAATATAATAT
AAGATTTAGAAATAAGATTATTAGAAAAATCAAACATCAAAGTATTTATTTTAAATCTT
TTTCCAATGGACATTCCCATTCTGAAAAAAGAGATATAAATATGGAAGTAAAAATTAA
TCAGATCAAAAAAGTGTTTAACTTCATGCATTGACAATTTAAATTTATTTTGAACATCG
GGTAAACTATTTTACAACAATTGGTAACTGCATATATAAGTTTAAATATGGTAACCTAGA
AAATAGGATAAATTATCTATAACAGGATATATTACATTGATATTACCATGTCAAAAAATT
TAGTAAGTACATGAATAATCACCGTGAAATCTTCAAGATTTCTCTATAAATACCTTGG
TAGTAAATCTAGTTTTTCCATTCAAGATACAACATTTCTCTATAGTCATGGGATTTGTT
CTCTTTTCACAATTGCCTTCAATTTCTTCTTGCTCTACACTTCTCTTATTCTTAGTAATA
>EP07008 (+) Gm lectin Le1; range -499 to 100.

AATATAACGTCGCATTTTAAACGTTTTTTTAAACAATATCGACTGTAAGAGTAAAAATGAA
ATGTTTGAAAAGGTTAATTGCATACTAACTATTTTTTTTCTATAAGTAATCTTTTTTGG
GATCANNTGTATATCATTGAGATACGATATTAAATATGGGTACCTTTTCAAAAACCTAC
CCTTGTTAGTCAAACACACATAAGAGAGGATGGATTTAAACAGTCAGCACCGTAAGTA
TATAGTGAAGAAGGCTGATAACACACTCTATTATTGTTAGTACGTACGTATTTCTTTTT
TGTTTAGTTTTTGAATTTAATTAATTAATAATATATATGCTAACAACATTAATTTTAAAT
TTACGTCTAATTATATATTGTGATGTATAATAAATTGTCAACCTTTAAAAATTATAAAAG
AAATATTAATTTTGATAAACAACCTTTTGAAAAGTACCCAATAATGCTAGTATAAATAGGG
GCATGACTCCCCATGCATCACAGTGCAATTTAGCTGAAGCAAAGCAATGGCTACTTCAAA
GTTGAAAACCCAGAATGTGGTTGTATCTCTCTCCCTAACCTTAACCTTGGTACTGGTGCT
>EP17011 (+) Ps lectin lecA; range -499 to 100.

NNNAGATCTTTTAGCTTAATTT
TTAATTGGATGAGATGATACCTTAATTTTAAATTGGATGAGATACAAATTTTATCATAAA
ATATATTAGTTATAACAATACGACCACCCTCTCCATAAGTTTTTAAATAAATATCAGCCCT

NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNGAATCCCAAACGTCAGAGAGACG
GAGAAGAGATTGAAACTTCTACTTGTACTGTCTTCATGCGATTCTTTTTCTCCCACCAC

GAATACTATCTCGCAAATCCCAACGGTGGAGGGTGAGAAATTGAATTTGAACAATATA
TCCAAATTTTCATGAAAATCCAACGGTTAACGAAATCGGGATCTTAAAAAATATTTAATA
AAAGAAAATGGAAGAAATAAATATGAAAATTGCAATAGTAATTAGTGTGATGATAAAAT
ATATTCTATCTTTTTATTATCTATATTTTATTTTAAATGTTAGAAAGACAAATATATATAT
ATAGCTCTTGGAAAGCAAACGAGTCAGGATATATGACAAAGATCAAAGGTCGTAATAATT
TTTTTTTATAATAATAACATAGATGTTGAGTTCCTAGTTTCTCTTGATATATATTGCA
AAATTCACACATACAAGAGCACCGATCCAATAAAGTTCTCAAAGTGCAAAGTCTAGTTTAT
CACTAAGAGAACCAATTAATGGAGAAAATGAGAGTGGTACTAATTACTCTATTGTTGTTT
>EP11008 (-) Gm nodulin 23K; range -499 to 100.

TTATTTTATCTATTGAAAGTAAAGTGTTAGAAATTGTTTGATTATAAAACTCTGATAAATG
ATTTTGCAGTTAAAAAACTAGAAGATTAATATAAAAAATTGATATTTTATATAATATATT
AAGTCTCTTTAAAAATCTTGTAAGAAAAAGACATTTTAAATAATAAAATAAAGCAACTCT
TAATTTTAAATGAAACATCCCTTTGTTAAACCGAATCTTCCATAATGTAATAATTAATGCT
TGATGGAAGTTTTTAATTTGTTCTATCCAATACTCAAAGGGTGTAAATATTTTTTTTAT
CATTTATATGTTGTAATATGAATGCACTAGTAATTAGTTTAAATGATAAAATATATTCTA
CAGATATATTTCTGTCTCTTGGCAACTCGTGAGAATTGAATATATTATAAAGATGAAAGG
TCGTTACAATTTTTTTTAGAATAAATATTTATATACAATTCTAGATTTTGTATATAAAAT
CACATATTGTATGAGTATAATACATGAGCACACACCAAAGTCTCAAATTAAGTAAGG
GGCTAATTATTAGCGCTAGCTAAGTAACCAAGTAATTAATGGAGAAAATGAGGGTGATAG
>EP14015 (+) Gm nodulin 24K; range -499 to 100.

AAACTAAAAAGTGTGACAAATTCATTTATTCATTAACCTTTCATATATTACCGTTAATGA
AAGAGTCTATGTAATATAGAGACAAAAATGATATTTATCCAAAATATAATTTAATTTTAT
TCTTTCTTTTTTTTTTACTCGTCATTTTCATAATATTATAATAAACACTTAAACAATAAAA
ATCAATATAATTAGACAAACATAAGTAGAATACATTTGTTGCATTTTTTACAAAAATCGA
AATTAATAATTTAATTTTAAATTTTTTAAAAATGAATTTGTTTGACATTCTACATTTTC
AAAGAAAAAGATAACTATTTAGAGTATTATTTTAACTTTTGGTGCTTTACATAATAA
TAAATCAGTTAGTAACTTTTGAAAATCTGAATTAATATGTTACGGCGCCAGGTAAGAAA
GAGGAGTTTCCCTATTTCTCTACTCCAACCTCCTTTATATAGAGTATATATCCACAAAT
TTTCTCATCTTTTGTTACTAAACAACTCGATCTGTTGTAATTTATTTAGTACGTATTGA
AAAATGNN
>EP35036 (+) Dc em gene DC8/10; range -499 to 100.

ATTGCAAACTACATTTTACAGGAGTATTAAAGTCGTGCCGGGTTCCGTCCACATCCCCC
AGTGTATCTACTACTCAGGGGACGGAGTATATATAAACCGTAAAAAATAAAAAATAT
ATTATTTAATATATTTTACCTGAGGATGCGTCTGCATGCTATTTTAAATTTTCAA
ATTACTAATACTAGTCTACTACTACATATTTTGTTCGTTCAAATTATTGGCGATGGT
GCATCCCGCATACAAAACCGAAACAATCTCTGGATAAGCCTGCTAGTATAAACACCTAAA
TGCACCGTCAATTGCATTTCTATCTCACGCGCCGACCCAGTGAGAACCAATTATTTCCAC
AATCACCACGTGGCAGTCCAAACGCTACGTGTTTATTTTACAGCTAGCGAAATATAGTAC
GTGTCACAACCACGATGCCTCTAAATAGCTTAGTCTCCAACCTAGCGCTTGATATAATAC
ATTTCTCATCAACTAAGCATCCCATTCATAGAAACACAATTCAGTGTCTTCGATTAGAA
CTACAAAATCTTCACATACAGATTGTAATTAGTAAATAATATTTTGCATTAAATCGAAAA
>EP35030 (+) Le E8 gene; range -499 to 100.

GCTTATGTCATTCTTTTACAACCTCCATGCCACTTGCCAATTGTTGACACTTAACTAAT
TAGTTTGATTCATGTATGAATACTAAATAATTTTTTAGGACTGACTCAAATATTTTATA
TTATCATAGTAATATTTATCTAATTTTTAGGACCACTTATTACTAAATAATAAATTAAT
ACTACTATATTATTGTTGTGAAACAACAACGTTTTGGTTGTTATGATGAAACGTACACTA
TATCAGTATGAAAAATTCAAAACGATTAGTATAAATTATATTGAAAATTTGATATTTTTC
TATTCTTAATCAGACGTATTGGGTTTCATATTTTAAAAAGGGACTAACTTAGAAGAGAA
GTTTGTTTGAAACTACTTTTGTCTCTTTTCTGTTCCCATTTCTCTCTAGATTTTCAAAA
GTGAACACTTTTATCTCTTTTCTTTGTTTACATTTTATTTTATTCTATTATAAATATGGCA
TCCTCATATTGAGATTTTTAGAAATTATTTAATCATTACAGTGCAAAAAGAAGATGGAA
AGCCCTAGAGTTGAGGAGAGTTATGACAAAATGAGTGAATTAAGCGTTTGATGATACT
>EP35038 (+) Le LAT52; range -499 to 100.

TGTTGGTGTGACATACTCGACTCAGAAGTATTGAGGAATGATCGATTCTGGGTCATTT
GTGTGGTTAATCACCCTCCAAATCAACTAAGTCATCCTGAAGGACAATATCCTATTTTTT
CTCTCGTAGGTTTATCATTTAAATTACTATCGCGTGATAATTTTGTAACTAGAAAAATA
ATACCATTAATCCAAACGTTATATTCATTTAAATAATTATGATACATTTAAAAATATTTT
GTGACCTCTCAATTATTGCAATTCTAAGCCATCCCAAGTTTTGAGGCTAATTTTTTTTA
CTATACTATTTTTACAACCACAAAAACATAAAAAATAAAAAATAAAAAATAAACCAGAG
TCAATTGCTACAATCACTTCATTATTAATTTTAATTAATATTATGTGGTTATATATGAAA
CTGTTAGAGAAATAATAGCTCCACCATATTTTTTCTCAATTTATTTTCACTATAAAAAAG
GCTATTTTATTATAATCAAAACAAGACACACACAAAGAGAAGGAGCAATAAAATAAAAGT
AAACAACAATTTGTGTGTTTAAAAAAGTACACACACCAAAAAAATTC
>EP35047 (+) Ha anther-sp. g. SF2; range -499 to 100.

TGCGGTTAAAAAGAAATCTAATACTGCACACTATCCACCAATAGACCAATTGAAAAATATGT

AGTTTTTCTTGTAATTTAGAGACACTTAATTAGACCAATTTATACAAGTGATCAATACC
ACTATATTTATACATAACAAAAACAATCGAAATTGAGATTTTATTAAAGGATGATGGTATC
TACATATCCCAAAATTTTTATACATCCTTCAATAGGAAAACCTATAGCCCAATACGCTTC
TCATAAGGTTTTAAACCATTAATGCGACACCAATAGGAATCATATAAGGCAATACGATTTC
CTATTGTTACGATATGCTCTAGCATGCCTGCAGTTCAGAACTAAAAAGGGTCTGAAAAGT
GACCCCAATAGGAACCGTATAAGAAAATACGATTTCTATAGGGTTAATGGGAAGTGCATA
GCCATCTAACATTCCACACGTATGTTCTTGAACTCCTTTCTTCACTTATAAATAACTCA
TTGCCAAGCTCTCTTCTTCACTCAACTCGAAAATGGCGAACAAATTCAGTTTCTTACTTAG
TATTGCTTTTGCTCGTCTTCTGTTCTTGCAATATCAGGTGCATAATCAATCTTATTTATTT
>EP35058 (+) Os RAB 21; range -499 to 100.

TGACCACCAGTTGAAAGGTATACAAAGTGAACCTATTTCATCTAAAAGACCGCAGAGATGG
GCCGTGGGCCGTGGCCTGCGAAACGCGAGCTTCAGGCCCATGAGCATTATTTTTTAAAA
AAATATTTACAAACAAAAAGAGAACGGATAAAATCCATCGAAAAAAAACCTTTCTTAC
GCATCCTCTCTATCTCCATCCACGGCGAGCACTCATCCAAACCGTCCATCCACGCGCAC
AGTACACACACATAGTTATCGTCTCTCCCCCGATGAGTCAACACCCGTGTCTTCGAGAA
ACGCTCGCCCGACACCGTACGTGGCGCCACCGCCGCGCTGCCGCTGGACACGTCCGG
CTCCTCTCCACGCGCGCTGGCCACCGTCCACCGCTCCCGCACACGTCTCCTGTCTCC
CTCCACCCATGCCGTGGCAATCGAGCTCATCTCTCGCTCCTCCGGCTTATAAATGGCG
GCCACCACCTTCACCTGCTTGACACCCACAGCAAGAGCTAAGTGAGCTAGCCACTGATCA
GAAGAACACCTCGATCTCCGAGAGTTTTTTTTTTCAGCTTTAGCTTAAGCAGGATGGAGCAC
>EP11009 (+) St patatin I l'PAT21; range -499 to 100.

AATAAAGAATAGAAAAAGGAAAGTGAGTGAGGTGCGAGGGAGAGAATCTGTTTACTATCA
GAGTCGATCATGTGTCAAGTTTATCGATATGACTCTGATTTCAACTGAGTTTAAGCAATT
CTGATAAGGCGAGGAAAATCACAGTGCTGAAATCTAGAAAAATCTCATAGTGTGAGATAA
GTCTCAACAAAAACGTTGAGTCCATAGAGGGGGTGTATGTGACACCCCAACCTCAGCAAA
AGAAAAACCTCCCTCAAGAAGGACATTTGCGGTGCTAAACAATTTCAAGTCTCATCACAC
ATATATATTATATAATACTAATAAAGAATAGAAAAAGGAAAGGTAAACATCACTAATGAC
AGTTGCGGTGCAAAAGTGAGTGAGATAATAAACATCAGTAATAGACATCACTAATTTTAT
TGGTTATGTCAAACCTCAAAATAAAATTTCTCAACTTGTTTACGTGCCTATATATACCATG
CTTGTTATATGCTCAAAGCACCAACAAATTTAAAAACAATTTGAACATTTGCAAAATGG
CAACTACTAAATCTTTTTTAAATTTATTTTTATGATATTAGCAACTACTAGTTCAACAT
>EP30063 (-) St patatin I PS20; range -499 to 100.

CTATTATAATACTAATAAAGAATAGAAAAAGGAAAGTGAGTGAGGTACGAGGGAGAGA
ATCTGTTTAATATCAGAGTCGATCATGTGTCAAGTTTATTGATATGACTTTGACTTCAAC
TGAGTTTAAGCAATTTTGATAAGGCGAGGAAAATCACAGTGCTGAATCTAGAAAAATCTC
ATACAGTGTGAGATAAATCTCAACAAAAACGTTGAGTCCATAGAGGGGGTGTATGTGATA
CCCAACCTCAGCAAAAGAAAACCTCCCTCAAGAGGACATTTGCGTGCTAAACAATTTCA
AGTCTCATCACACATATATATTATATAATACTAATAAAGAATAGAAAAAGGAAAGGTAAA
CATCACTAACGACAGTTGCGGTGCAAGAGAGTGAGGTAATAAACATCACTAATTTTAT
TGGTTATGTCAAACCTCAAAGTAAATTTCTCAACTTGTTTACGTGCCTATATATACCATG
CTTGTTATATGCTCAAAGCACCAACAAATTTAAAAACACTTTGAACATTTGCAAAATGG
CAACTACTAAATCTTTTTTAAATTTATTTTTATGATATTAGCAACTACTAGTTCAACAT
>EP30064 (-) St patatin II pgT5; range -499 to 100.

TTACATTAATAATCTTGGATTAGTTATGCTGCATTATTTCTTTTACATTGTTGGATTGGA
TGTATTAGAAATAACAAGTCTTACATAACTTCTATAAAAAAATATTTTTTTACAAAAAT
ACCTTCTACACTCTTTAGCTTTGAATAATGAAAAATATTTTGACAAAGATTTGAGGGATA
GTTATATCAGTAATCAATCTAAGCATTCTAATACATTGAAATTCATGGTATTAGTAATG
CATGCATTATTTTTCTAATAATATTACACAAAGTTAATGCATATATTATTTTTTCTAAT
ACACTCTATCAAAACGACTCCTTGTGTAGTCGGACCCACACCACTATAATTTCACTTTC
CTTCAATTGGGCCCACTATCCAGCTGTGCGAAATTTGAACGAGTTTTCATACAACCTTTTAT
TGGTTATGTCAAACCTCAAAATAAAATTTCTCAACTTGTTTACGTGACTATATATACCATG
CTTGTTATATGTTCAAAGCACCAAAAAAATTTAAAAACACTTTGAGATATCAGTTTTT
ATTAATTATAATCTGCAAAATGGCAACTACTAATTCTTTTACAATTTTAAATTTTATGAT
>EP16021 (+) St LS1 0.7 kb; range -499 to 100.

GCCTTGTAATTCTGTTTTACATTGATTGACTGAATGAGTTGTGCTCTTTCTATATGATC
TCGGATAATTCTTTTTCTCATGAGCTAACTTAAGTTAGGATATGAGCTAACTGGTCTCCA
ACAGGCAACAACCCATAGAGGAACCAATCAGTTTTTTCTTTTGTCTCTCTCTCTTCTGC
ACGAGTGGACTTAGTAAATAGAAAGGAAAAATGGCAAAAAATGTATAAGAAACAAGTCAATC
TCTTGGGTCCCTTAATAATCAAAGAAAACCAATGAATGAACTCCAAGTGCACAAAACCTAA
GATAAGGCAAAGGAAAAATAATTTGTAGTAAGAATGCTATATATTGATAATGTTGGTAATA
ATATTATCTAGAAGCAATCCACAGAAGGGTGCCACGTGTCAACTTGTAATCACAATTT
GCAAGTCATCACTAATATTATTATCAAGGGACCATGCAAGTGAAAATAAATAATTCATA
CTAAGTAGTGAGAGCAAAAGAAGAAAAAGGTATAGGAGAAAAATGGCAAGCACAGTAATG
AGCTCATTGAGCCTAAAGCCAACCTTTCACTTTGGAGAAAAACATCAGTGAAAGGGCTTCCA
>EP07012 (+) At[pTi0] ocs; range -499 to 100.

GTCCGGTGAAATGGGCTGCACTCCAACAGAAACAATCAAACAAACATACACAGCGACTTA
TTCACACGAGCTCAAATTACAACGGTATATATCTGCCAGTCAGCATCATCACACCAAAA
GTTAGGCCCGAATAGTTTGAATTAGAAAGCTCGCAATTGAGGTCTACAGGCCAAATTCG
CTCTTAGCCGTACAATATTACTACCGGTGCGATGCCCCCATCGTAGGTGAAGGTGGAA
ATTAATGATCCATCTTGAGACCACAGGCCACAACAGCTACCAGTTTCCTCAAGGGTCCA
CCAAAAACGTAAGCGCTTACGTACATGGTCGATAAGAAAAGGCAATTTGTAGATGTTAAC
ATCCAACGTCGCTTTCAGGGATCCTTTTTACCGACAACCTCATCCACATTGATGGTAGGCA
GAAAGTTAAAGGATTATCGCAAGTCAATACTTGCCCATTCATTGATCTATTTAAAGGTGT
GGCCTCAAGGATAATCGCCAAACCATTATTTGCAATCTACCAAATGGCTAAAGTGGCA
ATTTTGGGTGCGGGAAACGTGGCTCTTACTCTTGAGGTGATCTCGCCCGGAGGCTCGGC
>EP07013 (+) At[pTiN] nos; range -499 to 100.

CAGGCTTTCGACGTTTGGGTGGTTGAACAGAAGTCATTATCGACGGAATGCCAAGCAC
TCCCGAGGGGAACCTGTGGTTGGCATGCACATACAAATGGACGAACGGATAAACCTTTT
CACGCCCTTTTAAATATCCGATTATTCTAATAAACGCTCTTTTCTCTTAGGTTTACCCGC
CAATATATCTGTCAAACACTGATAGTTTAAACCGAAGGCGGGAAACGACAATCTGATCA
TGAGCGGGAATTAAGGGAGTCACGTTATGACCCCGCCGATGACGCGGGACAAGCCGTT
TTACGTTTGGAACTGACAGAACCGCAACGTTGAAGGAGCCACTGAGCCGCGGTTTCTGG
AGTTTAATGAGCTAAGCACATACGTACAGAAACCATTATTGCGCGTTCAAAGTCGCCTAA
GGTCACTATCAGCTAGCAAATATTTCTTGTCAAAAATGCTCCACTGACGTTCCATAAATT
CCCCTCGGTATCCAATTAGAGTCTCATATTTCACTCTCAATCCAAATAATCTGCAATGGCA
ATTACCTTATCCGCAACTTCTTTACCTATTTCCGCCGAGATCACCATCCGCTTCCCTTG
>EP07010 (-) At[pTi0] tmr/cyt P1; range -499 to 100.

TAAAAAATATTTACTGTCACATTGACTGAGATGGCACTGTTATTTCAACCATGAAATTTT
GTTGATTTTTTTACAATAACAATAATTGCAGGAAGTAAATAATAGACGCCGTTGTTAAAA
AATTGCAATCATATGTGCCTAACTATAGGGACAATTAAGTCAATTGTAATAGTCTCCCTT
ATTTTAACGACTCACCTAATCAAGTATTACAAAATATCTCACTTTTCGTAGTAATGATG
TAATCAGAACTGAATAGTACAAAGTAAACGTGGAAAAACGTCATAGAGTGGCATGATTAT
ATTCCTCTGCATTGCCAATTTATTCAGCTTTATTTGACTTAGGTGTGCCTTCGTTAGTGA
CAAATTGCTTTCAAGGAGACAGCCATGCCCCACACTTTGTTGAAAAACAAGTTGCCTTTT
GGGATACGGTAAAGCCAGTTGCACTTCAATAATGAATTTCAAGGAGACAATATAACCGCC
TCTGATAACACAATTTCTCTAATATAAAAAATCAGTTTGTATTCAATATACTGCAAAAACT
TATGGACCTGCATCTAATTTTCGGTCCAATTGCACAGGAAAGACGACGACCGCGATAGC
>EP07011 (+) At[pTi0] tmr/cyt P2+; range -499 to 100.

GGCACTGTTATTTCAACCATGAAATTTTGTGATTTTTTACAATAACAATAATTGCAGG
AAGTAAATAATAGACGCCGTTGTTAAAAAATTGCAATCATATGTGCCTAACTATAGGGAC
AATTAAGTCAATTGTAATAGTCTCCCTTATTTAACGACTCACCTAATCAAGTATTACAA
AATATCTCACTTTTCGTAGTAATGATGTAATCAGAACTGAATAGTACAAGTAAACGTG
GAAAAACGTCATAGAGTGGCATGATTATATTCCTCTGCATTGCCAATTTATTCAGCTTTA
TTTGACTTAGGTGTGCCTTCGTTAGTGACAAATTGCTTTCAAGGAGACAGCCATGCCCCA
CACTTTGTTGAAAAACAAGTTGCCTTTTGGGATACGGTAAAGCCAGTTGCACTTCAATAA
TGAATTTCAAGGAGACAATATAACCGCCTCTGATAACACAATTCTCTAATATAAAAAATCA
GTTTGTATTCAATATACTGCAAAAAACTTATGGACCTGCATCTAATTTTCGGTCCAATT
GCACAGGAAAGACGACGACCGCGATAGCTCTTGCCAGCAGACAGGGCTTCCAGTCCTTT
>EP07014 (+) At[pTi0] tr-7; range -499 to 100.

TTTAAATTATATATCTTAAGCAAATTACATTTTCTTAAATTATAGGGAAATATAATTAA
AGTTCAAGCAATCTATTTAGGCATAAAGTAGTTAATACAATTTATATAATATATAATTT
GCCGTCCACTATCCTTTACAAATTTGTCAAATCTGCATTATGAAATTAATGACTTTTTTG
AATTGTCTCGCCGTGTGAGGACAGACGTGAAGGCACCCACCTTTTAATTTGGATGCACCT
CTCACCTGATACAACATCATCTTTGTCAGCCATTGACGTTACGCTGTGCGCGGCCCACTT
GGCACACAGATAAACGCAGACTTTACAAAAAGTCAGCAATTGCAGCCAGCGCAAAATCCGC
CAAGCGTGACGAGCATTTTATGGATTTTCTTCAGATGAGACTAGTTCAAGCTTGAAAAAT
AAGCCCCCCCCGAAATCATCGCCACAGGTCGTCCAGCCCGGCATCTATATATAGCGCC
AATATAGTTTGTCTTACACAAACACACCTCACATCATGAATTTGCGAGATACTCCCTTGG
CCTCCCTCGACCTAGACTGGGCATGCGAAGAGTTTATCAAACTTATGGTGCATCTCCAC
>EP11010 (+) At[pTi0] tr-21; range -499 to 100.

TGCCAAATTCTAAAAATGCATAAATCGTATTCCATTGTAATGATTAAAGATTTTAACTG
TTAAATTGCAAGAAATTGCGAAGAGGGCCTTCCCGCTTTTCGACATTGAAAAAAGAATTGG
TAAATTCAAACACGAGAACAGTATAACTGATAAAAAATGTGGAACGAAATTTGATCTGA
TAATGTCCAGTATCCTCCCTTCATCTTACACTTTACGTTTCGCTATTATCATACACTTTA
GCGTAATTTGCAGGGTGGTGTAGCATGCGCACCCCATTTATAATTAAGTAAAAATTTCAA
ATCGAATTTATGACAAGATTTCGGAGGCCCACTATCCGACAGGCGTGAAGGCTTTTCGGCTC
GCTTTTGACATTTTGTGCCAGACTTTTTTGTGGGTCTACCGCCTCGACTTTTGTATG
GTTAAGAAGGTCGTAGCTGAATTTTGGGATCTTGTGGAAAACTAACACATTATAAATCA
ATTGATGTTTTCAGACCTCACTGGAACCCAGAAATGGAGTATAATCGTCCACATTTCC
AACCGACTTATGTCAATTTCTTATCCGCTTCTCAGGTGGGAAACTCCATTCTTGCTGGAT

>EP11011 (+) At[pTiO] tr-24; range -499 to 100.

CGCGCCATGTCCGATGAAATAAACTTTTGATACACGCGGGGCTTCGCAGAGCCGAG
GTAGGTCTGAGAAATTGGCATTTCACGTGTGGAAGATATGAATTTTTTTGAGAACTAG
ATAAGATTAATGAATATCGGTGTTTTGGTTTTCTTGTGGCGCTTTGTTTATATTGA
GATTTTTCAAATCAGTGCAGCAAGACGTGACGTAAGTATCTGAGCTAGTTTTTATTTTCT
ACTAATTTGGTCGTTTATTTTCGGCGTGTAGGACATGGCAACCGGGCTGAATTCGCGGG
TATTCTGTTTCTATTCCAACCTTTTTCTTGATCCGCAGCCATTAACGACTTTTGAATAGAT
ACGCTGACACGCCAAGCCTCGCTAGTCAAAAGTGTACCAACAACGCTTTACAGCAAGAA
CGGAATGCGCGTGACGCTCGCGGTGACGCCATTTGCGCTTTTCAGAAATGGATAAATAGC
CTTGCTTCTATTATATCTTCCCAAATTACCAATACATTACACTAGCATCTGAATTTTCA
AACCAATCTCGATACACCAAATCGATGGACATGCTGTATGCACCCCTCTCAACCGGATCA

>EP11012 (+) At[pTiO] tr-26; range -499 to 100.

GCTCAAAAAGAGCCTCGGATACCTACGCCAGCAAAAGCATTCCCCGTCATTTGCAGGC
TGCCCCCTTCCCTTCAAGCTGGCTATGATGAACCTGGATAGGGTCTTCCAAAAAATTTA
CAACCGAACAAACAAACAAATACAGAAATTTAGACAATAAAATGAATTACAACCGCATA
TATCCTGCCATCAGTCATCAAAAATCAACAATTAATGAGTTTTAATTAAGTACAGAAAC
AGACGATAATTTTAAGTCGGTTGATTGTCTACACGATAAAGAAATCGCGGACTACAGCTC
CTCGAAACATTGCACCTGGGTAGTAATGCAGCTTTCTCTAATTTATTAATCATGACGCA
TCGAATGACGCGAGTGTCATTTAAGTCAAAAATGGCCGACAACGAAACGTATTCCGCACC
AAAATCAAGGGGCTCGACGTGGACATGATTTGGTATCGCTTACTACACGGTGAAATAGC
TCAAACCTCTATCTCAAACCTACATTCAACAGCCAACGCAAAAACAGTCTACGCTCCCTG
TGAAGTAGTTTCAGCATTCAAAAATGGACCTGTCCAAGCTAAACTCGCCATCACAAGAGC

>EP26005 (+) MSV 1.05 kb P1; range -499 to 100.

CAATGCATGTAAATGCAAACCTCCATCTTTATGTGCCTCTCGGGCACATAGAATATACTT
GGGAATCCAACGAACGACGAGCTCCAGATCATCTGACAGGCGATTTCAGGATTTTCTGG
ACACTTTGGATAGGTTAGGAACGTGTTAGCGTTCTGTGTGAGAACTGACGGTTGGATGA
GGAGGAGGCCATAGCAGACGACGGAGGCTGAGGCTGAGGGATGGCAGACTGGGAGCTCCA
AACTCTATAGTATACCCGTGCGCCTTCGAAATCCGCCGCTCCCTTGTCTTATAGTGGTTG
TAAATGGGCCGACCGGTCCGGCCAGCAGGAAAAGAAGGCGCGCACTAATATTACCGCG
CCTTCTTTTCTGCGAGGGGCCGGTAGGGACCGAGCGCTTTGATTTAAAGCCTGGTTCTG
CTTTGTATGATTTATCTAAAGCAGCCCAATCTAAAGAAACCGGTCCCGGGCACTATAAAT
TGCCTAACAAGTGCGATTTCATGGATCCACAGAACGCCCTGTATTATCAGCCGCGGG
TACCCACTGCAGCTCCGACATCCGGAGGAGTGCCGTGGAGTCGCGTAGGCGAGGTAGCTA

>EP26006 (+) MSV 0.9 kb P2+; range -499 to 100.

ACGGTTGGATGAGGAGGAGGCCATAGCCGACGACGGAGGATGAGGCTGAGGGATGGCAGA
CTGGGAGCTCCAACTCTATAGTATACCCGTGCGCCTTCGAAATCCGCCGCTCCCTTGTCT
TTATAGTGGTTGTAAATGGGCCGGACCGGGCCGGCCAGCAGGAAAAGAAGGCGCGCACT
AATATTACCGCGCCTTCTTTTCTGCGAGGGCCCGGTAGGGCCGAGCGATTTGATGTAA
AGCTTGGTCTGCTTTGTATGATTTATCTAAAGCAGCCATTCTAAAGAAACCGGTCCCG
GGCACTATAAATTGCCTAACAAAGTGCGATTTCATGGATCCACAGAACGCCCTGTATT
ATCAGCCGCGGGTACCCACAGCAGCTCCGGCATCCGAGGAGTGCCGTGGAGTCGCGTAG
GCGAGGTAGCTATTTTGAGCTTTGTTGCACTGATTTGCTTTTACCTGCTTTACCTTTGGG
TGCTGAGAGACCTTATCTTAGTTCTGAAGGCTCGACAAGGCAGATCCACGGAGGAGCTGA
TATTTGGATTGGGCCGACGATGTAGAGGCTCTGCTTTCTTGATCTTTTATCTGATGACTG

>EP07016 (+) CaMV 35s minor; range -499 to 100.

GTTCTTATAGGGTTTCGCTCATGTGTTGAGCATATAAGAAACCCCTTAGTATGTATTTGTA
TTTGTAATAACTTCTATCAATAAAATTTCTAATTCCTAAAACCAAAGTCCAGTACTAAA
ATCCAGATCTCCCCAAGTCCCTATAGATCTTTGTGGTGAATATAAACCAGACACGAGACG
ACTAAACCTGGAGCCCAGATGCCGCTTGAAGCTAGAAGTACCGCTTAGGCAGGAGGCCGT
TAGGGAAAAGAAGCTAAGGCAGGGTTGGTTACGTTGACTCCCCCGTAGGTTTGGTTTAA
TATCATGAAGTGGACGGAAGGAAGGAGGAAGACATGGAAGGACAAGGTTGCAGGCCCTGT
GCAAGGTAAGAAGATGGAATTTGATAGAGGTACGTTACTATACTTATACTATACGCTAA
GGGATGCTTGTATTATACCCCTATACCCCTAATAACCCCTTATCGATTTAAAGAAATAA
TCCGCATAAGCCCCGCTTAAAAAATTGGTATCAGAGCCATGAATAGGTCTATGACCAAA
ACTCAAGAGGATAAAACCTACCAAAATACCAAGAGTTCTTAACCTCTAAAGATAAAAGA

>EP38001 (+) Ce hist. H1 his-24; range -499 to 100.

TTGCAACTGAACTGGAGAGAAAAACGAAGTCAAAGTCAGAAGTTAGAGTTACATTTTCA
GAAAACCTCAAAATTTTCAATGAAGATGCTTTGAGGAGGATAAGTATCTTATATATTCTT
GTAGGAAAAGTGCTCGGCTACTCATTAACAATTTTCAACTCAATATCTCTTTATTGTT
AAAAGATATCCGTGTTTGAAGAGAGTCAGGTGCTGTGAAAACCAATGCGTCGACTTCAGG
GCCCAATTACTCGGTCAATTTATAATCGTTTTCTCTGAATTTTGAACACAATGTAGATAA
TGTCTTCAGCTATCAGATGTTATCAGGAAATTTATAAAAAATTGATCCGGAGTATCCAAA
TTGTACAGCGCCCGACACCTCCTCTTTCGAGACCTGCTATCTTATTCGGTGACGTAAGGG
AGAGGCGGGATGTGTCCCGCAGGGTGGTAGAAATTTGGGTATATAAGAGAACGAGAGGAC
TCGCACAGTCATCACTTTTCAAGTGTACCCAACCAACCAACCGCCGTCGAACGATGTC

TGATTCCGCTGTTGTTGCCGCCGCTGTGCGAGCCAAAGGTCCCAAAGGCTAAGGCCGCCAA
>EP33004 (+) Ce hist.H2A-A his-12; range -499 to 100.

TGGAAGGATCAGACGGACAGCGGTCTGAATTTGCGGGGATGAGATTGTGGAACGCTTGTT
GTAGTGAGCAAGACGGGATGCTTCAGCAGCAATACGCTCGAAGACATCGTTGACAAAAGA
GTTTCATGATAGACATGGCTTTGGAGGAACTCCAGTGTCTGGATGAACCTGCTTGAGGAC
ACGGTAGATGTAGACGGAGTATGATTCCTTACGGGCATGACGTCTCTTCTTTCCGTCCTT
TGGCTTCGTAACGGTCTTGGCGGCCCTTCTGGCTCCCTTGGCAGATGGCTTTGGTGGCAT
GTTGAGAGTTGGTGACTTGAAACAAGTGTGAGGAGACCTTGTCTCCCTTCTCTTTTATT
TGTGTCTGTGGTGGGAAGGAGGAGTCATTGAAGGGACAGGTGACATTCGGTCTGATGCTT
ATCGCTTGAAATGTGTCCCCGAGTGTCTCCGCCTACCCACCACAGAAATTGTATATAAT
AGTGTCTCTGCAGTTGCCTCATCAGATTCGATTCTATCAATCAAACAATGTCTGGACGTG
GAAAGGGAGGCCAAAGCCAAGACCGGAGGAAAGGCCAAGTCCCGCTCATCAAGAGCCGGAC
>EP55001 (-) Ce hist.H2A-B his-12; range -499 to 100.

TGGAAGGATCAGACGGACAGCGGTCTGAATTTGCGGGGATGAGATTGTGGAACGCTTGTT
GTAGTGAGCAAGACGGGATGCTTCAGCAGCAATACGCTCGAAGACATCGTTGACAAAAGA
GTTTCATGATAGACATGGCTTTGGAGGAACTCCAGTGTCTGGATGAACCTGCTTGAGGAC
ACGGTAGATGTAGACGGAGTATGATTCCTTACGGGCATGACGTCTCTTCTTTCCGTCCTT
TGGCTTCGTAACGGTCTTGGCGGCCCTTCTGGCTCCCTTGGCAGATGGCTTTGGTGGCAT
GTTGAGAGTTGGTGACTTGAAACAAGTGTGAGGAGACCTTGTCTCCCTTCTCTTTTATT
TGTGTCTGTGGTGGGAAGGAGGAGTCATTGAAGGGACAGGTGACATTCGGTCTGATGCTT
ATCGCTTGAAATGTGTCCCCGAGTGTCTCCGCCTACCCACCACAGAAATTGTATATAAT
AGTGTCTCTGCAGTTGCCTCATCAGATTCGATTCTATCAATCAAACAATGTCTGGACGTG
GAAAGGGAGGCCAAAGCCAAGACCGGAGGAAAGGCCAAGTCCCGCTCATCAAGAGCCGGAC
>EP55003 (-) Ce hist.H2A-D his-12; range -499 to 100.

TGGAAGGATCAGACGGACAGCGGTCTGAATTTGCGGGGATGAGATTGTGGAACGCTTGTT
GTAGTGAGCAAGACGGGATGCTTCAGCAGCAATACGCTCGAAGACATCGTTGACAAAAGA
GTTTCATGATAGACATGGCTTTGGAGGAACTCCAGTGTCTGGATGAACCTGCTTGAGGAC
ACGGTAGATGTAGACGGAGTATGATTCCTTACGGGCATGACGTCTCTTCTTTCCGTCCTT
TGGCTTCGTAACGGTCTTGGCGGCCCTTCTGGCTCCCTTGGCAGATGGCTTTGGTGGCAT
GTTGAGAGTTGGTGACTTGAAACAAGTGTGAGGAGACCTTGTCTCCCTTCTCTTTTATT
TGTGTCTGTGGTGGGAAGGAGGAGTCATTGAAGGGACAGGTGACATTCGGTCTGATGCTT
ATCGCTTGAAATGTGTCCCCGAGTGTCTCCGCCTACCCACCACAGAAATTGTATATAAT
AGTGTCTCTGCAGTTGCCTCATCAGATTCGATTCTATCAATCAAACAATGTCTGGACGTG
GAAAGGGAGGCCAAAGCCAAGACCGGAGGAAAGGCCAAGTCCCGCTCATCAAGAGCCGGAC
>EP33003 (+) Ce hist.H4-A his-10; range -499 to 100.

CTGAAGACTGGAATCGGAGATCGGTCTTGAAATCCTGAGCAATCTCACGGACAAGACGCT
GGAATGGCGCTCTACGAATGAGAAGCTCGGTGGATTTCTGGTAACGTCTGATCTCACGTA
GAGCGACGGTTCCTGGACGATAACGATGTGGCTTCTTGACACCTCCGGAAGCTGGAGCCG
ATTTACGGGCAGCCTTGGTGGCCAATTGCTTTCTTGAGCCTTTCTCCGGTCGATTTAC
GGGCGGTTTGCTTAGTACGAGCCATGATGCTTTGGTTGGTAATCCGTGGGGACTGTGAAG
AAAAGGGAGACCTTATCGTTTCTTTTATATGCAGGTGGGGTGGGTAGGCGGAGGGAAGGA
AGAGACAGACGACAGTTAGACATTCGGTGTGTTAGGTAGACTATGAAATGTGTCCCCACA
GGATGGCTTAATGTGACTCCACCTCTTCCACCTGTTAGTAGACATTAGGGGTATATAAA
GAAGGCAATTTCAATCAGTTCTTCATCTCACTTGTGAGTCTTCATCAATTGTCAACAATG
TCCGGACGTGGAAGGGAGGAAAAGGCCTTGGAAGAGGAGGCAAGCGTCATCGCAA
>EP55004 (-) Ce hist.H4-B his-10; range -499 to 100.

CTGAAGACTGGAATCGGAGATCGGTCTTGAAATCCTGAGCAATCTCACGGACAAGACGCT
GGAATGGCGCTCTACGAATGAGAAGCTCGGTGGATTTCTGGTAACGTCTGATCTCACGTA
GAGCGACGGTTCCTGGACGATAACGATGTGGCTTCTTGACACCTCCGGAAGCTGGAGCCG
ATTTACGGGCAGCCTTGGTGGCCAATTGCTTTCTTGAGCCTTTCTCCGGTCGATTTAC
GGGCGGTTTGCTTAGTACGAGCCATGATGCTTTGGTTGGTAATCCGTGGGGACTGTGAAG
AAAAGGGAGACCTTATCGTTTCTTTTATATGCAGGTGGGGTGGGTAGGCGGAGGGAAGGA
AGAGACAGACGACAGTTAGACATTCGGTGTGTTAGGTAGACTATGAAATGTGTCCCCACA
GGATGGCTTAATGTGACTCCACCTCTTCCACCTGTTAGTAGACATTAGGGGTATATAAA
GAAGGCAATTTCAATCAGTTCTTCATCTCACTTGTGAGTCTTCATCAATTGTCAACAATG
TCCGGACGTGGAAGGGAGGAAAAGGCCTTGGAAGAGGAGGCAAGCGTCATCGCAA
>EP55005 (-) Ce hist.H4-C his-10; range -499 to 100.

CTGAAGACTGGAATCGGAGATCGGTCTTGAAATCCTGAGCAATCTCACGGACAAGACGCT
GGAATGGCGCTCTACGAATGAGAAGCTCGGTGGATTTCTGGTAACGTCTGATCTCACGTA
GAGCGACGGTTCCTGGACGATAACGATGTGGCTTCTTGACACCTCCGGAAGCTGGAGCCG
ATTTACGGGCAGCCTTGGTGGCCAATTGCTTTCTTGAGCCTTTCTCCGGTCGATTTAC
GGGCGGTTTGCTTAGTACGAGCCATGATGCTTTGGTTGGTAATCCGTGGGGACTGTGAAG
AAAAGGGAGACCTTATCGTTTCTTTTATATGCAGGTGGGGTGGGTAGGCGGAGGGAAGGA
AGAGACAGACGACAGTTAGACATTCGGTGTGTTAGGTAGACTATGAAATGTGTCCCCACA
GGATGGCTTAATGTGACTCCACCTCTTCCACCTGTTAGTAGACATTAGGGGTATATAAA

GAAGGCAATTTCAATCAGTTCTTCTCATCTCACTTGTGAGTCTTCATCAATTGTCAACAATG
TCCGGACGTGGAAAGGGAGGAAAAGGCCTTGGAAAAGGAGGAGCAAGCGTCATCGCAAA
>EP28002 (+) Ce[IV] msp-56 A; range -499 to 100.

TTCCACAGGAAAATTGTTTTATAACAATGTGAATATCGAAATGATGAAAAGTGATGTGG
AATGTGATGTGTGATTTGAAAACACGATAAAAAAGGTGGAAAGTTCCAATAGAAAGTTTAT
GGAAAAGGTCACACGTTTTTAATTTGAATTTGTTAGTTTTTTTTCAAATCTATTTGGAATA
CGCTTGAATCGCGACCACCTTTGTTTGTGACCCATCTCTGTAGAGTCAGAAAAAGCCAC
AAATATAAACTTGAGAACGAGAAGACGAGTGAAAAGATGTGGAGGAGTCGTTCCGCG
ACAGACGGAATTTCTCATTTCCAATATAACAACTTATGCAGTTTTTTTTTCTAATATT
CTTGTTTTATTAATTAATAATTAATAATATTTGAACCTTCCCGTGAAATCTGATTGACAT
TTTCCACGTTTTCTAGGCTATAGATCTGGGACAAAGATAAGAAGTTGCTATAAATTGGGC
AGATTTTGTCTAATCTTAATAGAGTTCTCATAAGTCCTTCATCGAACGACCATGGCCCA
ATCCGTCCCACAGGAGACATCCAAACCAACCAACGCGAAGATCGTCTTCAATGCGCC
>EP71002 (-) Ce[IV] msp-56 B; range -499 to 100.

TTGTAACAATGGTGAAGAGTCCAAAACAACCTGAAACCAGTACTGAACTTTGGACCCA
AATTTCTCGGAGCTCCCCGGTGATAGCAGTGGAATTTATGAGGGATCATCTGAGACAT
CCTACTATCGCTTGGCATTCTTTATCTCGATGTCAGGGACAGTTTTCAAACACTTTCC
TTGTAAAGAAAAAATTTGCATTTTCAAATTTGTTATACTATGAATTTTAAAGCTTGGTGAC
CCCAATCTTTACGATGATACCACAAAACAACCTAATCAACTAGTACTTAGTATTTACAG
AAAACAATAGGTTTTTTTGTCTCAATATGGCAAACCTATCAGAACAGTGCAATTTAGG
AAATTATTCAAAACAGCTATTAGCTAAAACCTGATTTCTTTCAAATTTTAACGTAATCTC
CTATTTTGGATGAATTTTATAGTTTAGGGCAGAGATAAGAATGTTGCTATAAATTTGGA
AGATTTTGCATAATCTTCATAGAGTTCTCATAACTCTTCATCGAACGACCATGGCCCA
ATCAGTCCCACAGGAGACATCCAAACCAACCAACGCGAAGATCGTCTTCAATGCACC
>EP63009 (+) Ce Cuticle Col-12; range -499 to 100.

TTTAATTTAAAAAACCCTCGACTTTTCAGTCATTTTCGAGTGCTTGGACCTTTCCGCGAGCC
GATATGACAGCATGAACAGAAATGATTCTCGGACCCTCAGCAGTGTTGGAAGCACGGCCAG
GAACGGAGCCAATAAAGATGCAATCATGAATCACTATCAGTCTATGCGTTAAAAATCTT
TGAAGTGCATTTTCAGTATTTGCTATTGACAAATAAAATTTCCAATTATTATTCACCTAA
ACTTCTCGTTTACACAAAATCAAAAGCGATGTAATTGTTCTCTGATTAGTTCACTCAAAAC
TTTTTTTTACCTACTGTTTATCTCCTTCTGTTCTTTTTCTTTATTCCTCTAATTCATC
CATTCTGTTTTAATTCACACTGCGCGCCGCAACACCATGTCGCTGTAATATTTAGTCAGT
TTTTGAGAAAAATAGGTATAGAGACAGACGCTGACAAGACAACACTAGGTATAAAGCG
GAAGTGGTGGCTTTAAATCACTTGGCTTCTAAAGTCCAGTGACAGGTAAGGTTCTCGTT
ACTTCCGTCTCGATTACTAAGATTTGATTCTTTTTAGAAAAATGACCGAAGATCCAAAG
>EP63010 (+) Ce Cuticle Col-13; range -499 to 100.

TATTCTAATAAACCAATTCAACAATTTCAAAACGTTGAATGCAATTTGCAGCTCTCAGAAC
ACTTTAACTGAAATTGGCGTAATGTGAAAAAATTAGCTCTCTAAAATGCAACTTGTAGT
ACATAGTTCAACTAGGAGCTAGTTAATAAATGTATTCACATTGAAAAATTTTACAAATGT
TTTATAATCAAACTACATGTAGCATTGTTTCAATTGAAAAACCACTTTGAACTGTTAGA
TAAAGTCATCACAGACAATTAACACTTATAAGAATGCTACATTAAGTCTCGATGTTTGAA
TAGTACTCTTAATCTTACTTCTTGTGAGACATATCACAAACATAATCACAACTATCACTA
CGGATAAGTGTCTCACAGTTGTAAACCCACACAAGGTTTATCGTCATTCTCCGCTCTT
TTCTTTACCTGCTATTGTAATATTGACGGTGTGCTGCCATTGCGCGCTATAAAGAAG
AAGAACGGCAGGAGATAAGCACTTTATTTGCAACCTTCAATCTTACCCCTTTTTTTTGAA
CCACTTACATTTCAAACAATTTTAGATGTGGAAGATCTAAAGCAGATTGCCAGGAGA
>EP11013 (+) Ce vitellogenin 2; range -499 to 100.

ATCATATTTTTTTGGATTGATTTTGTGATCCTGTGTGCCCAATTGAGGAAAA
CTGTTGCGTTTTAGGTGCTACAATACAATTTTACCAAGTTTTTTTTGCAGATTTTTCT
ATCCTGTGCGTCACAATGCAACTAGCAAGTAAAAAAGTAATGACTTTGTTTTAAATACCA
TGTGCTAGCTGAGTTTCATCATGTCCAGAATCACCTCATCGTTAAAAAGTCATGAGTATC
AAAGTGCAGTGTGATCAAACCTGTATTACTTGAAACAATTTAGTTATATGTTTAGAACCCC
TCATTCAAAATTAATAGACAGGGCTCTCACCGAATGTTGCAATTTGTTTCTGATAAGGGT
CACAAAGCGGAGCGAATGCTTGAATGTGTCCATCAATGAGCTTATCAATGCGCTAAAACG
CTATAACTTCCATATGAAGTCAATCGAACATATGTCAATCTTAGCCGTATATAAAGGTG
CACTGAAAACAGTCCAATCACGGTTCAGCCATGAGGTGATCATCATCGCTCTCTCGTG
GCCTTGGCCCTCGCTCTCTCCAGCTTTTCGAGCGCACCTTCGAGCCAAAACTGACTAT
>EP11014 (+) Ce vitellogenin 5; range -499 to 100.

AGGTAAGCATACAGGGAATAAATATAGGTGAAAGTTTTTAAAGGTACTAAAATTGGGA
CATTTGCAAACTGTCTACTGGGGACATATGTAACCTCAAATACTCTGGCTTTGTTTAGT
TATCAAAGTCTTTATTTAGAGCTTTGATACTATTTTGAATTGAACTTTTTATTTCAAC
ACAATCATTTGTTTCTCTCTACATAGTTATGTATCTTAACTACAGAAAAATTTTAAAC
TTCATTCAAGCAATCATTCAGAAAACTTATAACGGTCACATATACGTCGACCACGATAT
GCACGTTGAATTAGAAGAGTGACAGCTGTACTCTGATCGCTACCTGAACGACATGCGCAC
TTCAGTTTCAACTGATAATGCGGTAAAAGTTTCAAGATTGACATTGACTTTATCGAATAAAT

CTGTTAAGATAGGATGATTTGAAGGAATAGTGTCATTTTCAGTTGCATCTATAAAAAGGG
TAACGGAGAAGCCATAGTCACTCTCGCAATGAAGTCGATAATCATTGCCTCTCTTGTGCG
CTTGGCGATTGCCGCTCACCGCTCTTGACCGTACCTTCTCTCCAAAGAGCGAATACGT
>EP11015 (-) Ce vitellogenin 4; range -499 to 100.
ACGACTACTCCAAATAATGTTGTATTCACTAAACGCCGAATTTTTATCAGTGAAATGTTT
AAAAAATTGCGTGTATCCAAAGATGTTTCCCATCAAATTTGTTGGAGCGATTAAAGCT
GCCCAATTTTAAACATGGTCCATAAAACCTCCGCTTGATTTCAAACCACGGGCGGTAA
GCAAGCACAAGACTGCATTGACAGAATAATGTGTATTTTTTGTATGTTCCATATTAAT
GTTCTATAACCCCACTGTGGTACGTCTATCAATTAATTCAGAAACCATCATTTAGGCG
TCGATCTTCAGGGAAAACCTGACATCTGCAACTTTGATAATATATTTTCAACATGTATCTT
TCAATTTGCGCTGATAAGCATTAAATGGCACGATCACAATCTCTGGAAATCTGTCAATAA
TATTAACCTCCTTGCAATCGCCTGTCTGTCAATTAACACACTGGTATAAATAGAAA
CGCTGGAAGGGAATAATCACTCTCGCAATGAAGTCAATAATCATTGCCTCTCTTGTGCG
CTTGGCGATTGCCGCTCTCCGGCTCTTGACCGTACTTTCTCCCAAAGAGCGAATACGT
>EP11016 (+) Ce vitellogenin 6; range -499 to 100.
CCACATTTTCATGAACAGTTTGGTTTGGCCACATGACTAAGGCGTGACCCACATAGAAAAC
ATCAGGTGCCCTTGAAGCAATATTTACATCTTCGCAAGCTAAGGTCAATGTTATTTTT
GCCATTTTCATGACTATAATGGCATCATTTTATTTCCCAATTTAACCAAAAGTCAGATGC
AAAATGTTGAAAGTGTGCAATTTCAAAGTAGAAAATGTAATAAAGTGTCAAAGAAAAT
TGTCATACTTTGACCAGAAACCATCTCCCATCCACCTCCCCTCATCGGAGCCACCCGCC
AATCCCAAATGGTACCTAACATTACTGACACTCTCCCGCACTCAACAATTGACACCTGT
CTCAATGACTGATAAGCATGTGAGTCTTCAATCCGCATGGTCTCTAAGCTACTTTCA
GAATTGCAACATGCTGCGATGGACATCTTGTCGAAGTTAAGAGTATGTATAAAGGACA
CGAGCTTCATGTATTCTTCACTCGGTCACTTAGATCGATCAATCACTATGAAGTTCTTCA
TAGCGCTTGCTCTCTTGGGAGCGGCACTCGCTCGACCCATTTGGATCGTTACAACCTCA
>EP11017 (+) Ce calmodulin cal-2; range -499 to 100.
ACTTTATCTATACTTTAGCCTGTTAATATTTTTTATGAATAATCGTTTTTAAATATATT
TTAATTGAATAATCCGGCCGCAACTGTAATCTCTGGTGTATTTATTTATGAACCTATTTA
AACCATAAGTGATATATTTACATTACTCATCTCTTTTCACTTTTCGCATGTCTGTTCTT
CTTTCTCAACTCGTTGTTTCTACTGCTACCCAGCAACCTAAATCTATTTTCAACTTTTA
CCTTTTTTCTCTGCTCTTCTCATTTTTTCAATCCGTTCAACATGCGTCACATGTTTTT
CGGAGTCCCTTCAAGACACACAATCAGTTGCGGTCTTGAGCTACTCATTTTTTCAAATT
TTTGAGAATTTTTTATCATTTTGTATCTTTTAAACATCCGTTTCAAATTTTCCACTTCTAC
TGTTTTCCGGATGCAAGATTTTTTTTTGCTTTTTTACTTGTGTTACAATTTGGTTTCTAGACA
TTAATATTTTCAAGCAATCCGAGCAGAAAGAAATGGCGATCCCATCAAATCTTATGCAATT
TTCTGAAGATATCATCAAGCAACTGACACCTGAAGAAATCGACGAGTTCCGTGAGGCATT
>EP63007 (-) Ce cAMP-dep. PKR P1+; range -499 to 100.
ACCGTATACATCAAAATATTTCTATACATTTGTAGCTGCTTGTAACCTCTATATGAATTA
AACAAAAAATCTCAAATCAAATTCGTCCGTTTCCGCGACATATTGTAACCGTTGATCTC
CTATCAAAAGAGGAAATCCCTTTATCTTTAAATTATAGTTTCCGGTCTCAGTACTTGCG
CGACGACGTTTTTCACTCTGCTAATTATCACCATCAATCATCATATTTACTTTCCGACCA
TCTGTGTGATCAAAGTGATGAACTGAACTTGCTTTCAAATTTCAACAAATCAATTATCTG
ATTTTTCTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTCTTTTTCTCGTCTCTCGCTCAACCAAGTT
TGGGTATCAATTTCTTTCTTGCTCCTCTCTGTTTTTCTTCTCTCCACTTTTT
CTTCTTTTTTCTGCTCAATTCTGCTTTGATCTACTGGGAAGGCTGTGTGCCAAGATT
TTCCAAAATGTTGTACACTGGCGGGTGTATCAGCATTATTCGGTAACCGCTCATCTCGC
TCTTTTCCGCGGCATCCCCGTCAAAGTCTGTTACCTTCCCCACCAAGTTTTCATCTCA
>EP63008 (+) Ce cAMP-dep. PKR P2; range -499 to 100.
GATACTTTAATGCAGTTAATTTGCAACGCAGAAAAGTGTTCCTCAAATTTTAAACGCCCC
CTCGAACGGAATAGCTTATTTATTTTTTGAAGTTCATTTGAGTACATTTTCAGTCTAT
ACATGCAACAATTCAAAACCGTATACATCAAAATATTTCTATACATTTGTAGCTGCTT
GTAACCTCTATATGAATTAACAAAAAATCTCAAATCAAATTCGTCCGTTTCCGCGACAT
ATTGTAACCGTTGATCTCCTATCAAAGAGGAAATCCCTTTATCTTTAAATTATAGTTT
CCGGTCTCAGTACTTGCGCGACGACGTTTTTCACTCTGCTAATTATCACCATCAATCATC
ATATTTACTTTCCGACCATCTGTGTGATCAAAGTGATGAACTGAACTTGCTTTCAAATTT
CAACAAATCAATTATCTGATTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTCTTTTTCTCGTT
CTCTCGCTCAACCAAGTTTGGGTATCAATTTCTTTTTCTTGCTCCTCTCTGTTTTT
CCTTCTTCTCCACTTTTTCTTCTTTTTTCTGCTCAATTCTGCTTTGATCTACTGGGA
>EP17012 (+) Ce hsp 16K-1 A; range -499 to 100.
CTGAAAAATAAAACATTTGACAAATAAACAATTGAAAAAGAGATTATTTTCTTACCTCTC
CAATATTGTCGGAAAAATGAATGAGTTGTGATCAGCATTTCTCCAATATGGAAATTGAA
CAGATCCAGTGATTTTATCCAAAGAAATGATCGAGAACATTTGAATCAGAAAAATGGAGAAC
GGAGCATGAGCATTTCTGAAGTTTAGAGAATGAACAGTAAGCACTTGAACAAAGTGTATT
GGTTTCTCTGAACACGATTGGCTTATATACCCGTATCTGCAGCCGTTTAGAATGTTCT
AGAAGGTCTAGATGCATTCATTTCAAATACACCCCATAGGTGCAAGAGACGCAGATT

GAAAAAGTATCTGGGTTTCTTCAGTACGCACACTATTTCTCAATGTTCTGAATGTGAGTC
GCCCTCCTTTTGAAGAAGCAGCTCGAATGTTCTAGAAAAAGGTGGAAATGAGTATAAAT
ACAGTGACAAAAACCGAACCAACAACATTTACTCTAATTGTGAAATCTTCAAACCTACAAT
CATGTCACTTTACCACTATTTCCGTCCAGCTCAACGTTCTGTTTTTGGTGATCTCATGAG
>EP55011 (-) Ce hsp 16K-1 B; range -499 to 100.

CTGAAAAATAAAACATTTGACAAATAAACAATTGAAAAAGAGATTATTTTCTTACCTCTC
CAATATTGTCGGAAAAATTGAATGAGTTGTGATCAGCATTTCTCCAATATGGAAATTGAA
CAGATCCAGTGATTTTCATCCAAGAAATGATCGAGAACATTTGAATCAGAAAATGGAGAAC
GGAGCATGAGCATTCTTGAAGTTTAGAGAATGAACAGTAAGCACTTGAACAAAGTGATT
GGTTTCTCTGAACACGATTGGCTTATATACCCGTATCCTGCAGCCGTTTGAATGTTCT
AGAAGGTCTAGATGCATTCAATTTCAAATACACCCCATAGGTGCAAAGAGACGCAGATT
GAAAAAGTATCTGGGTTTCTTCAGTACGCACACTATTTCTCAATGTTCTGAATGTGAGTC
GCCCTCCTTTTGAAGAAGCAGCTCGAATGTTCTAGAAAAAGGTGGAAATGAGTATAAAT
ACAGTGACAAAAACCGAACCAACAACATTTACTCTAATTGTGAAATCTTCAAACCTACAAT
CATGTCACTTTACCACTATTTCCGTCCAGCTCAACGTTCTGTTTTTGGTGATCTCATGAG
>EP17013 (-) Ce hsp 16K-48 A; range -499 to 100.

AAACTTTTGTATCTGTTAAACAATCTGAAAGAAATCTTTTTTATACAAACTCTTGAAAA
AAAATGTGTTACTTACCTCAGAAGATTCAGATGGAGAGCCTCTGCAAACCTGGAGTAAAT
GACGTTCCATCTGAGCCATATCTCTCATGAGATCACCAAAAAACAGAACGTTGAGCTGGAC
GGAAATAGTGGTAAAGTGACATGATTGTAGTTTGAAGATTTACAATTAGAGTGAATGTT
GTTTGGTTCGGTTTTGTCACTGTATTTATACTCATTTCCACCTTTTTCTAGAACATTCTGA
GCTGCTTCTTGCAAAGGAGGGCGACTCACATTGAGAACATTGAGAAATAGTGTGCGTAC
TGAAGAAACCCAGATACTTTTTCAATCTGCGTCTCTTGCACCTATGGGGTGATTTTTGA
AATGAATGCATCTAGGACCTTCTAGAACATTCTAAACGGCTGCAGGATACGGGTATATAA
GCCAATCGTGTTTCAAGGAAACCAATACACTTTGTTCAAGTGCTTACTGTTTATTCTCTA
AACTTCAAGAATGCTCATGCTCCGTTCTCCATTTCTGATTCAAATGTTCTCGATCATT
>EP55012 (-) Ce hsp 16K-48 B; range -499 to 100.

AAACTTTTGTATCTGTTAAACAATCTGAAAGAAATCTTTTTTATACAAACTCTTGAAAA
AAAATGTGTTACTTACCTCAGAAGATTCAGATGGAGAGCCTCTGCAAACCTGGAGTAAAT
GACGTTCCATCTGAGCCATATCTCTCATGAGATCACCAAAAAACAGAACGTTGAGCTGGAC
GGAAATAGTGGTAAAGTGACATGATTGTAGTTTGAAGATTTACAATTAGAGTGAATGTT
GTTTGGTTCGGTTTTGTCACTGTATTTATACTCATTTCCACCTTTTTCTAGAACATTCTGA
GCTGCTTCTTGCAAAGGAGGGCGACTCACATTGAGAACATTGAGAAATAGTGTGCGTAC
TGAAGAAACCCAGATACTTTTTCAATCTGCGTCTCTTGCACCTATGGGGTGATTTTTGA
AATGAATGCATCTAGGACCTTCTAGAACATTCTAAACGGCTGCAGGATACGGGTATATAA
GCCAATCGTGTTTCAAGGAAACCAATACACTTTGTTCAAGTGCTTACTGTTTATTCTCTA
AACTTCAAGAATGCTCATGCTCCGTTCTCCATTTCTGATTCAAATGTTCTCGATCATT
>EP64006 (+) Ce sec-1; range -499 to 100.

CTGAAAAATATGGAGATTTATTTATATTTTATTCATATCAAGCATGAATTCTCACCTATTT
GTCGCGTTTGAACGCTTTCCAGCTCCGCCGCGCATAATTTTGTTGTTAAATATTTTTTA
AAACCCTGGAAAAATTATCTGATAAAATCTGTGTAGATTTACGGCCACGTAGAATAGAAGA
CGAGAAGCGTGTCAAACGGTGTAACCTGGCGCATTTTGCCTGCAATGCATTTTTTAAAA
GAAAAGCGGAATTTTAAACAGAATTGTGTGAAAAATTTAATTTTCAGAGAAAGATTTTA
GAGAAAAAAAATGCAAAATCTGATAAAAAATAAATAATTTTATTTAAATACGCAATT
TCTCGTAAATATAATGTTTGACCTACATTTTGATCTCTCACTGATCATCGAAACAACAA
CAAAAATGTAACAAGTAAACAACAACAACAACAACAATTTGGGTATAAAAGGCGC
GGATTTTGCCATTTTCTCAGACGTTTATCGTTTTTACCTCATTCTTAACCTATTACAC
TCAACTATGTCTTCTCTGCCATACACTGGCCGTCCAACCGGACTCTTCCGCGACTTC
>EP63002 (+) Ce Metallothion-I; range -499 to 100.

AAAGAAATAACCAATGAGCAAGTGAACTTTTCCACGTCTACTACTAAATTATTGTGCGAT
CTATAATTCTTTCGCTTATCAATCTTGTCATTTGAAATAAAACAATTTTTTCTAATTCT
TTTTGGAACGAACACAGTGTTTAAATGAATGTTGTGCTAAAAACGTCACATCAATGGTA
CGTGAATGTTGCAACACCTTGTCATAAATGATAAAATCAGAACTAGAGCTGTGACTG
AATCGTATACTAGAACGGAGTCTCTCTAAAAACGTTCTAAAAACAACAAAAAATTGTGC
AAAGGATTAGAGTGCTCAAGATCAATGAGCAAACTCACAATCACTATCTGTTATTGTTT
TGGGTCTCTTCTATATCTCTATTCTTTTAGTATCATAAGTTTGTACATTGTGACAGGGCC
ACCCTCTTTTATCACATATTTGAAGTGGTAAACAGCCAGCAAAAACCAATAAAAAGGCA
GTGAGAAAAAGAGAAGGCAGCTCAATTTGACTGCTGAAATTAAGAAATCATGGCTTGCA
AGTGTGGTGAGTTAATCTATACTTTATAGATTTCAAAAACAATTGTGACACGTTTAAAAAT
>EP63003 (+) Ce Metallothion-II; range -499 to 100.

ATGTAACCATGGAAGTGAGAAATAATTGATGGAATAGCTAATGAGCTGAAGCTGAGTAGAT
CAGAGACTACTTTATTCTAAAAAGTACAGTAGTTGGAAAATTACATGTTTCATTTCTAAT
TTTCAAGGAAAAGCTAGTAATTACCGTAATCTTGTTGTACCTGAAATTTTATGTACTGC
AGGTGACCAAGTATGTTTGAGGCATGACTTCACACACCTAACTGATAAAGGCCTCTATCA
CAAACTAGAGTTGTGACGGAAAAATCAACTTCTCAGAATATAGCTCAAAATCTATCAAAAT

TTTATTTTCAAAAAATCCAAATAATTGTGCACGCAATGTACTTACTGCTTCATAAAGTTCA
GAAGAATTGGATAAATTTGAATGAAGTTTTCAAAGCTTTTATCAGTGACTGTACATTGTG
ATAGGCTTGTGCTGTTATCAGCTGCCTCAAATAGTTGTGCGTTGAAAAATTTATATAAAA
GGCCTACCAGCAGACATGAGAATCAAGCTTCAAAGGCTCTACTCAAAAATGGTCTGCAAG
TGTGGTAAGTTGAAATTTTATTACGCTTTTAATTAATTTTGAATGAAACCCCTTTCCCA
>EP63001 (+) Ce casein kin IIa'; range -499 to 100.

CCGCCGGGCGGTGTGACTTCTGGTTGGAATACTCGGCGCAATACCCATGTGTTCTGAAGA
AAAACATAAAATAACTTATTAATTGCTTCAGAACTTACTCGGCTTGCCTGGCGATTAATA
TGTTGCACAAATCGATGAAGCTGTGAAGCTGAAAGCATAATTACCTGAAAATATCAATTT
TAATTAAGTGTTTCGCTGAAAATAAAGTGATTTTCATTCTAAAATACAGAAATAGATGAGA
AAAGAAAATGCGCGCCGTTGTGCGATGATGACAAATTTAAAGGCACACCGACTTTCGCAGC
GGGAATATCTCACCACGCACGAGTTCACATTTGGTTTTTCTCTGCGCTCTCTCGCATTT
GCGTACTCTTTTCATGTTCTGGCATGTATTTTCAAATTTATTCGGGTTTTATCAGTTTTT
CCGAGATTTTACTATTTCTACTGAAAATTTCTGTTCTAATAATTCAATTATAACAGCCGTT
TTGTCAAAACTTGCTCAAAAATAACGTGTTACTTGTTCAGATCGTTATTCTTGGGAAAT
GCCTCCGATTCTTAGCCGGGCGAGGGTCTACGCCGAGGTGAGCAAGTTGTATAGCCAGG
>EP17014 (+) Dm snRNA U1; range -499 to 100.

TCACACCATCGAACTTTCTATCGAGTTACGAACTATTTTCGATTATTAGTTTTTTCGCG
CCTATGGAATTCGCAAAATCATTTATTACTACCCCATAAATATTCCGTATAGAAGATGC
TCTGTTTTCGTTGTGAGTTAACCATATTTCCGGCGATTTTTCACCATTTTATTGCTGATAT
TTTCGTGGCTTGTAAACTATTGTGGGCCTCTCAGATTGTTTAGTTTTAATTAATTAAT
TCTTATCATTATTTCGCTCGTTAATAATCATTTAAATGAAACAGTAAATCCAAAGGTT
ACATATAATATGTATAAGGGTGAAGCAGATAAGAACCACAATATCAACGCACAGTTTAC
AAAAATCAACCCAACTGCAGATGTAACATTTTGTAACTACTTTTCGGGGGTAAAGACTTT
CACGCACTTTTACTGCAATAATTCCCAACTGCTTCTGGCCATCAGCTCATGGAAACCCAT
TCCTTGAGCTGAGGAAAGCATACTTACCTGGCGTAGAGGTTAACCGTGATCACGAAGGCG
GTTCTCCGAGTGAGGCTTGGCCATTGCACCTCGGCTGAGTTGACCTCTGCGATTATTC
>EP14016 (+) Dm histone H1 embryo; range -499 to 100.

TTTTTAACGATCGAAAATTTTCTGAATGCTGCTTTAAAGCAAATTTTCTGTAGTTCA
ATGTGAACCTAAATCAAGTAATAAAGTATCTTAATTAATAATAGACGCTTCTTTCAGAA
CCTTCTAGGGATGAACGTTTCAATTTTAATAAACATAACGAATTAGTGAAATATTTGCCA
TGATTCTTATTTAATAGATGTTTTTTATAAATTGGTCCAGTTAAAAATTTGATTATAA
AAATTCAATCAACATTTGAAAGTCTCAAAACCCATATTACATCTTTTAAAAATGGAAAG
TGACGAAAAAATTTATTTAAAGTGCTAGAAGTATTAACCTTATTTTATTAATGATTTA
AAATACTAAAAAATTAAAAAAGTTTACACTTCAAGCAAATTTGACATAGTAAATGACT
GATGTGAGTAGCATTGTTAAAGTGCTCTCCTCCTCGATTCTCATCAGAGCAAAGGAGGTT
GGTAGGCAGCGCGAGCCATTTTAAACAGAAAAAAGTGTCTCAGTGAAAAAAGATG
TCTGATTCTGCAAGTGCAACGTCCGCTTCCCAAGTGGCTGCCCCACCAGCGACAGTTGAG
>EP07035 (+) Dm RPL32_2 E2P2; range -499 to 100.

TTGACGCGCCCAAGTTTAAATTCATTACACGATGATCCGCAATATATCGCTTGGCATCGC
CATGAACGAACTATCGGCGAATCATCGACGCACGACGTATCGATGTTTTTTCACACCAC
CAGCTTTTTCTTTTCGCTTCTGGTTTCCGCAAGGTATGTGCGTGATTTTGGGCCACGT
GTATTTCCATTAATTTAAGCCGTAATTGTGCTTTTTGGCGGTTTCGAGTTGAAGTGCCT
TAGTCCGTGCGCTGTTTCGCAAGTGTCGGCTCGTATTTTCGACCGAATTCGGATCGATTCC
TGTGAGAGTTTCGCCAATGGCTTCTGTTTGTGATGGGAATTCGTGGGGCGACACCCGGA
AACTCAATGGTACTGCCCAAGAGCTAGCCCAACCTGGTTGAATTATGCATTAGTGGGA
CACCTTGTGTGTTATTAGCTTGATAAGTGATATTTCCAGTGGGTGAGTGCATAATGGCT
ACTTTTGTGTGCTTCCAGCTTCAAGATGACCATCCGCCAGCATACAGGCCCAAGAT
CGTGAAGAAGCGCACCAAGCACTTATCCGCCACAGTCGGATCGATATGCTAAGCTGTC
>EP15006 (+) Dm ribosomal p. rpA1; range -499 to 100.

TTCTGCTGTTAAACGATGGTCATGTTAATCATCGATAGCCAGCTGTTAACTTTTACGCA
TCCCTAGTTCCTTCTTACGCTTACGATCACTCTCATTTTGTCTCTTTCCAGCACTTAA
CAGTATGTTAGACCTCGCCTAACAGAACCGTTTCAAATGGTGTGACCGCCTACTGCAAGA
GCAAAGTGCTTCCCACTATTACGATAGCCAAGTTTGAAACCCAGTGTGCAACTGATAAC
ATTTCCATGCTGTAAGAAAGTCATATTATTAAGCTAATATAAATACTTTTTGATGTTGT
AAATATAAAAAAACACACCAAAATTGTTCAAAAATCAATAATATTGCTCTAATTTTTATT
TAAAGCAAAATTTGAAATAATATTTGAATTTATCGTTTCATTAGGGGTATTGCTAGATA
AGGATGTGGTATACTTTGGTATATATAAGTATGAGCTGGTATTTTCGAGCCTCGACCGCG
CGGCCACACTGACTTCCGCCTCTTTTTCGACGACAACCTTGCAAAGGAAAGTTGTGTTTT
CGTACATTTTGCCAATTCAGTTTTCGTGTCAAGAACCAAGACTTAAACATGCGTTACGT
>EP23024 (+) Dm EF-1a' F1; range -499 to 100.

ACGGACGCCAAAAAATGTATAAATAAATGAAACGTATTACATAAATTTAAACGATCTCAA
GCTTCTATTGTTATTTAAAGTTCTATTACGTTAGGGTTCACATACAAATTAAGTTTCAGG
TTCTAGTCTAAAAGTTCAAAATGCGGACTACTAATGCAATTGTTATAGTTTTTAAATATT
AAGAGATATGTGTTCCAATATTACGTATAGAAATTATAGACATCGTTTTGTAGAAAAATAT

TTTTGGAATCACTGATTATTTAGTTTTTTCATATAAAAAACAATGTGAGCAAACAAGGTTT
TTTAAATCCCTCAATCGTTAGGTTATTGTATTTTGCCACTTTCAATCACTTAAATTTCAA
TAAATGAAGTGCTTCATTCGCGCGTAGTGAAACACCGCAGTGAGAACACGGTTTCTGC
TCTTTTGACAGTTGCGTAGCTTCGGTCACACCATGTGTCAAACGAGGCTTCTGTGCTGA
GCTCTGCCGAACGCTCGTTCACCTTTGTTTGAATCCGTCGCCGCTTAGACTTCGTGATTTT
TCATTCAGCTTATTCGAGAGTAAGTTTTACCTGCGAGGCTATAATTAAGTAATTTCTGCA
>EP23025 (+) Dm EF-1a' F2; range -499 to 100.

CGAACGCAAAAGGTCTACGTATTAAGCATTACTGTTAATTACATTACTATTAAC
AGTATTTTTTCAAATTCCTTTCTAACATTTTTGTTCTGTCAAATTTTCTATTGTTCTGTC
GTACGACAGGACGAGAGAGAGAGAAAGGAAGGAGCTTGCGTCTTATTTCAACGCATAAGC
GAATAGTGTGCACAATGTCTTTTGCAATTAGTGGTGAATGTGCATACTTTTAGTGACAGT
CCGTGAAAGTACTATATTATTTATCTGCAAAAGACTCAGTTTAAGAGAATATAAAATAT
TCCATGAATGGTAGTAAAATTGTATTACTATTTTTATTTTGGTACGTTTTATACTTAAGG
GATGGAACCTTTATTTAAGTCAAGAAATCCGCATAATGCAATAGGAAACCCAAGGCCCTT
GTCATACATGGAATCCTGTGCCATCTCTAGGTCGGAATCAGTTCAGCTCCGTTACCTCA
GCATCGTTGCTTTTTTGGTCTTTCCGTTTTGTGATTTGAGGTAAGTGCACGCAGAGCTC
CCGTTAAATTGTGAAAATATTAATAGGCATTGATTAGTTGTGGAATGTAAAAAGGGAAA
>EP15007 (+) Dm[42A] actin cp; range -499 to 100.

TCTGAAATTGCAACTTCTTGAAAACTCTACATAGCTTAATGCAAAAGCTTTCACAGCTA
GTTAATGAAATTA AAAACAAAAGGTTGAGATACCGGGCCACTTGGCAAAACGCTCTGTAA
ACGGTGTAATACATTCTGAAAGTTAGCGTCGAAATGATAGTGCTATACATCGGTTCAATA
CATGGATTTCCCTGTGGTGCAGGTACAGCATTGGCGGTATTTTCAAACCTTTTGGTC
GAATTTTGAGAACACTGCATAATTTTTAAATGCATTTTCAAGGATTCTTAGATCATTCT
AATTTGTTGATAACACGTGAGTATACCAATGAATAAAAAATTTTAAAAAAGTCCGCTCT
CCAGTCTTCACGTTTTCCAATTATCGCACATTTATTGTTGGTGGAGTCACTTCGGAAGT
AAAAAAGACCATAATTTTATGCGTATATGGTCACACTACTTTTCAACCACTTTAACTCGA
AAAAGTAGGCGTCGGTCAATTCAATCTTAAAGCGTCTGTCAATTGTGCTAAGTGTGTGCAG
CGGATAACTAGAACTACTCTACATATTTCCATAAAAGGTAAGACTCCTGCCAACACT
>EP23020 (+) Dm[5C] actin E1P1+; range -499 to 100.

TGTGTTGCACAAAATGTCCCTGGAATAACCAATTTGAAGTGCAGATAGCAGTAAACGTAA
GCTAATATGAATATTATTTAACTGTAATGTTTTAATATCGCTGGACATTACTAATAAAC
CACTATAAACACATGTACATATGTATGTTTTGGCATAACAATGAGTAGTTGGGGAAAAAT
GTGTAAAAGCACCGTGACCATCACAGCATAAAGATAACCAAGCTGAAGTATCGAATATGAG
TAACCCCCAAATTGAATCACATGCCGCAACTGATAGGACCCATGGAAGTACACTCTTCAT
GGCGATATACAAGACACACAAGCACGAACACCCAGTTGCGGAGGAAATTCTCCGTAAA
TGAAAACCCAATCGGCGAACAATTACATCCCATATATGGTAAAAGTTTTGAACGCGACTT
GAGAGCGGAGAGCATTGCGGCTGATAAGGTTTTAGCGCTAAGCGGGCTTTATAAACGGG
CTGCGGGACAGTTTTCATATCACTACCGTTTGAGTTCTTGCTGTGTGGATACTCCTC
CCGACACAAAGCCGCTCCATCAGCCAGCAGTCGTCTAATCCAGAGACACCAACCGAAAG
>EP23021 (+) Dm[5C] actin E2P2; range -499 to 100.

AATCAATTCGCCAACACTTTCTTTTTTCCACGCCCTAAAACACCAGATCATCCATAAA
TGTACATACATACAGTATATGCATATTATAATCTGTAAAACCTAGATCAGGTTCTTGAAAA
TAGTGACGTAGGCGACCGTTTTGGCTGAAGCAGAAATTTTTGCCGGTTTTTCAAAGTTGT
AGTTGCAAAAATGGAGAAAACCTTCGAGCATTCTGTTCAATACACACACTCACGCGCAAA
ATAACGAGAGAGAGTGTATGTGTGTGTGAGAGAGCGAAAGCCAGACGACGTTTGCTTTT
CGCCTCGAAACATGACCATATATGGTCACAAAACCTTGCCCGCCGCAATTCAACACACCAG
CGCTCTCCTTCGCACCCATAGCGACCATGGCGCGGAGCGAGCGAGATGGCGAGAGCGAGC
GACGCCTATGGCGACGTCGACGAGGACGAGTGA AAAACGCAGTTAACTGGCATTCAA
CATTACACGCCACTTTTCAGTCGGTTTTATTCCAGTCATTCTTTCAAACCGTGCGGTCGC
TTAGCTCAGCCTCGCCACTTGCCTTTACAGTAGTTTTACGCTTGAATTTGTTAAATCG
>EP23022 (+) Dm[87E] actin muscle; range -499 to 100.

ATGTTGAAAGCTGTGACCTAAACATACCAAGTTCACAAGCCTTTACTTAGCTTTAAACC
AAATAATTAAGTATTAAATATTTTTCTGGCATATTTACTTAATAATATAATAATAATA
CTTAAGAAGTAGTTTGTGGTATGATATTTAATATTAGAAAATCATTACACAATAGAAAA
TAGGTACAAAATTGATTATTTTCATTCCATCATATGCGCTTTACAAAAATCTATATTTT
TCATAACATATTTTGAGCCATCTTTCTGCAAGTGCACCATCTGGGAAATTATGAACGAAG
CGAGCAGAAGTCCAAAAGCAAAAATCCAACGAAAACAAATTATTTTTAAAAGAACTCAG
AATCTCCCCCGCCGGCGCAATGTGCATCCATGTGCACATGTGTGCCGAGAGGCGATTGA
GTGTGCGTGCGGAAAATATCTAAAACGACTGAGGGTCGCCAGAATGGTATAAATATTAGC
GCATCTCGGTCCAGCGACCACTCGCAGTTCTACAGCGAAAGTGTGATTTGGATTCTAG
TTTTTCTTCTGCTAACGGTTAGTATACTCCACATCCACCAATTCCGCTGTGCTGGTTGAC
>EP25020 (+) Dm tropomyosin I; range -499 to 100.

AAGAACGGCAGGAAAACGCTGGCCGATCAAAATTCAAAATTTCTCAATATTTTTTAC
CGAGCGAAAATAGATTTTCATCTTGTGGACTTTTGCTCTTGCTGCTTGTGGCTATTTTT
GGCCGTGTATCTGACGGATACACGCACACACAGACAGCGAGAGTGTGTGAGTAAAAAT

ATAAATTGAATTTAGATTTAAGAAGCAGAAAGAAAAGCGCATAAATTTACAGAGAATGCA
GCCCAAAAGAGAGAGCATCGTATGAAGCAGCTTTTGGGGGAAATTTTCGAGGGAAATTTTC
GAGATCGCCGAGCAAAGTTGCGAAAGCGCCATTCCACATATACATTTATTAATGGGAAAT
TTTTGAGGCGAGAAATTATCAATACCGCGTTGGTGTGTGCCCTCAGTGTGTGTGAGTTT
TTCCGATTTTCCGAGTGGCAGTGTGCGTGTGCGTTGGATCTTGGGGTCGCTTTCTGGGCT
AAGCAACTTGGTCAGCATCAGTGTCTCGGGGTTTCGACAGCGTATAGTGTGTTTGAAC
GCTAAGGTTGGTCAGCCAGGATTTTACCCGACAAGAATTAAC TCAAAATAAATATAAT
>EP63004 (-) Dm paramyosin E1P1; range -499 to 100.

TGACTTATATGTATGTACGTTTCGAGAATTGGGAAAATTTATGTGTAGATACATTCTGGCC
AGACGCTAGATACACAAAATGAAACGCACAAATGACACAGGCTAATTACAGGTAAGCAAT
AGAAAAAGAAAAGACAAGAAAAGCAGGCGTACTTCGTGTTTTTGAAGTTATTTTCGTAGGG
GGCAAGCTCTCAGGCAAAC TAGCGTGAAAAATGCGTTCACACAAGCTTCGGCCCAAGTGAA
ATGAAAAATCAAAGAATTTTCCACACAAC TGAAGCAATTAACACAACAACACGGCCGCGTG
AAAAGTCACTCGAAAGTCCCACTCACATTACATAGGTGGTGGTGGTGGCTTATAGATAT
ATCTCAGGGTATATCCCACTCGGATCCGATCGGCGGGGAGCCGATGGCGCCCGACGGCGA
CCGAAGGCTCCCGAAGGGAACCGAATAAATCGTTGAAATAGACGAATTCAGCTGGCAGGC
CAAACCAATTCAACGAACTCTTTTATTTCGAACGACAACGGGATCTCTTGTTCAGTAGA
TCACCAGCCTTACTCCGAGCTTTATTACGAATTTTCTCGGTGACTCGGTGACAAC TACAA
>EP63005 (+) Dm paramyosin E1P2+; range -499 to 100.

ATTTATGTGTAGATACATTCTGGCCAGACGCTAGATACACAAAATGAAACGCACAAATGA
CACAGGCTAATTACAGGTAAGCAATAGAAAAGAAAAGACAAGAAAAGCAGGCGTACTTCG
TGTTTTTGAAGTTATTTTCGTAGGGGGCAAGCTCTCAGGCAAAC TAGCGTGAAAATGCGT
TCACACAAGCTTCGGCCCAAGTGAAATGAAAAATCAAAGAATTTTCCACACAAC TGAAGCA
ATTAACACAACAACACGGCCGCGTGAAAAGTCACTCGAAAGTCCCACTCACATTCACATA
GGTGGTGGTGGTGGCTTATAGATATATCTCAGGGTATATCCCACTCGGATCCGATCGGCG
GGGAGCCGATGGCGCCCGACGCGACCGAAGGCTCCCGAAGGGAACCGAATAAATCGTTG
AAATAGACGAATTCAGCTGGCAGGCCAAACCAATTC AACGAAATACTCTTTATTCGAACG
ACAACGGGATCTCTTGTTCACTAGATCACCAGCCTTACTCCGACGTTTATTACGAATTTT
CTCGGTGACTCGGTGACAAC TACAAAATGCGTGCGGTGCTGTATAGATTTTTCGCTTGAG
>EP63006 (+) Dm minipara. E2P3; range -499 to 100.

CCACTGCTGCCAACCGAGGAGAACCCAGAAACCCGAAGCTACAGAGGCGACAAGGCGAC
ACACAGAGGCGGCGACAATTGTAGCTTTAATTAGAGTACTCTTAAGAAAACACATTAGGC
CATTAGACCATTAGACCATCGCAACCCCTTGAGAAATCCGCCCCCTTCACAAAGATC
CCCTTCTAAACCATGGCCCTAGCCCTAAACAAAGACCTTCTCGCTTCGGTCCGACGAC
GACAACGTATGAGGATAACTATGGGTACACCATGAAC TCTACCAGCCCATGCTGGACTA
TCTGGACGCCAAGGCCAAGGGTCTGGAGGTCAAGAAGCCGCACCTGCCGTGGGTGAGCGA
GAGGGGACTGAAGCAGTACCGCCCTCGAATGCGGTGCGACAATATAACGCCGACGAGAT
CGTCCGATTGTGCGGCACCTGCGCCGCTCGGGCCGACGAGATATTGCTTAAC TTTTCGGGC
CCGAAACGCTCGCCGTTCACTGTACAAAAGTTGGTCGACGCATCGCGAGTGACCAAGCA
CCTTGAACCGGACACAGTTGTGAAAAGATCGCGCCAGCGCCGCGTCCGCTCAGGAGGA
>EP07017 (+) Dm cuticle p. I; range -499 to 100.

TTTAAAGCAAACCTGCAACCTGTTTCGTGAGAGGAATTGATAAAAAAAGAAAGAAATGGT
GCCAAGGTAGAGACACACGTTTATATATTACAAAACATCGAGTCTAAGAAGTCGGCGATG
CTTTGTAGTCCATGGAGTCTTGATGGGACTACAAAAGTGGTTACGGCCTGGCAATGCCA
AGTCAAGCTCAAAGGAGGGGATTTAATGAAGGGGCGGGTCAAAC TCGTTTCGATTTTCGGG
ATGCCACCCGACCCGTTTGCCCTTATTGATGCGATTGTTTCATTTTAGCATCTATTAAG
CGATTATATATAGTACTTATCCCGTTGTTTGGCATTGCTAAGCTGTCGCATGTGACGAT
GCTTTTAAATGGGTGTGGGCGCATCCGCGAAGTCAACCCATAACTCAGCGAACCAATTGA
ATGCAAGATGTAGCGTTTGTATAGGTTCACTTTGGGTGGCAATCATATAAAAAGGCTC
TGCCCGACCACAATCAGTTTATCAGTCAACGTTTCGTTCTCGACCAGACAGAAGTCAGCCAA
TATGTTCAAGTTTGTAAAGTGTCCGACGATACGAACCAACATACTCGATCCCTAACGAAT
>EP11018 (-) Dm cuticle p. II; range -499 to 100.

TTTAAATTAACAGTGACATCCAAAATATTGAGATACAACAAAATGTCATAGGCAACTAG
CACGTTAATATGCAGTATCACTTGCGAAATCGTTTATTCGGGTATATTGTTTATTACCAC
TTCGGAACCTTTTAAAATAGATGGGACTGCTATCAAGTGAAGTGTATTGGGTTTTTGTAT
TTTGTACAGGCATGATTGATAAAGACTTGGTCAACTCGAAACGTCATCGATGAGCACAGA
ATCCGAAAACCGTACTCCATCGCCCTACAAAATTTCTACCGAAGCATGTTTCATTTTCGG
AATCTGTTCAAGCAGCGCAAGACTTGTTTTTGTACATTTGTATCGCAGAGTCAAGTGGAGA
ATTTATGGGCCCTGCCTTTTGTGTCATCATGGGCGTTTCGTGATAACTTAGATTTGGCC
CAAAAAGTAATAAGCAATTCGTTTGGAAAGCAACCAATTTGGGAATCATATAAAAAGACT
CTGTGACCAAAAGTCAGTTATCAGTCAACGTTTCGTTCTCGACCAGACAGAAATCAGCCAA
CATGTTCAAGTTTGTAGTGGCTCACAGGACATTTATGAACTCGCCATCTAATTGGTATC
>EP07018 (+) Dm cuticle p. III; range -499 to 100.

AGGTTCCGAAGTGGTAATAAACAATATACCGGAATAAACGATTTTCGCAAGTGATACTGCA
TATTAACGTGCTAGTTGCCTATGACATTTTGTGTATCTCAATATTTTGGATGTCACTGT

TTAATTTAAAAAACC CGCAAAGCTTTTGGCCAGAGTTGTCAACGTGCCACACACCAAAT
GAAACACCGAAAACTATGCTATGCTTAAGTTTAGTTCATATTGAAGTTGAATTTTAGAAA
ATTAAATATTGTACTGCTTAATAATTATTCTGGTTTCTGGTCCGGTTTGCTTTCATTTC
GGTTAGACTAGGGCGAATATTTTCAGTTGAATAAATAACTAAGAATGCTCATCTCCTAATG
AAAGTGGTTAAGCCATCTCAAGTCGACTAATTTGCATCCCAGACGGTTTTTATTATATGC
ATCACATTGACTTAATTATAATACGCACATTGCATCAGCTTTTGATGATATATAAACACC
GATTTGAGCATAGATTGTCATCAGTCTTAGAAGATTTCTAGTCCGACAATCCACCCAAAT
CAAAATGTTCAAGATCGTAAGTATGCCTTGAGGAGCATAGTGACTTCGCAGTCTAATCCT
>EP11019 (+) Dm cuticle p. IV; range -499 to 100.

CCAGTCATTTCCGAGATAGAAACCAAATGATGCTCCGAAAGGTATGCTGGATCTACAAGC
GGTTCGCAAAAAAGTTTTGTTTTCTAGTTATTTTTACCTCCTAATAATTAACTTCTAC
TATCAGCAGCTTAGACATTATTCAATCAAGTTATTTTTATATGATTTGTCTGGAGTAATT
CAAAGTTATCTGACTAAATATTCCGGAAGATGTTAAATTATTTCAATGAGAAGGTGGACT
TACCCTTTTCCGAGTAACCCGATTCTTTTTAGAATAATTACGGTAGCGATTTGCATAGAC
AATAGAAATCAAAAAGAGTGCAGCAGACGATTTTTATCGCCACCAAGCATGTCACTTGAA
CCAGTCCGTA AAAACCAACGAGACCTATGCTGGCCGAAATGTTAATTA AAAACGGGTTGC
ATCAGCTTTTGATCAGCTTTAAGATTTCTGTTGGGAGTGCGTATAAGCGTATAAAAACCGA
CGAGTGATCCCGAATTGGCATCAGTCTCAGGAGTTCTTTAGTCTGACAATCTAACCAAGT
CAAAATGTTCAAGATCGTAAGTATCTGAAGTTTAAAGCCGGACAGTTCAATGAGTAATCC
>EP23027 (+) Dm[Gart] cuticle p.; range -499 to 100.

TTTTTACGACACTGCAGTTCAACGATCGTTATGGTATTTAGAGCTCCTTGGGATGGTAAG
TCGAGCCGGGCAATATGGGATTTTCAAGATCAGCCACAATACATATCAAATTGTAAGTGC
CCCAACCTTCGAGTAGGGCATAACCATCCATCCATTACGAATGTTTCATTTAGGTTTTA
CTCGGCTTTCCGTTTTGCCGAACCTCCACACCGTCCCACACTTTTGGGAATTGCAGCGGCG
ACAACGACAAATAACGCCGTTGATACCTATATAAAATAATTCTATAAGAAATAAAATCA
TTTTATTTATGACTGACTAAGGCGACCAGCAGCGATGAGATGTTTGTAGATGGAGACGAT
CATGACGATGACGAGCGGAGATGGAGATGGAAACGGCAACGGCAACGGCAACTCGGAACT
GGGTTTCCGAGGCGATGTATAGCCAAAAATCCGCTGGTGAGCGGATGGATATAAAAACGA
AAGCGTCCGAGAAGCAGGCAAGCAGTTTAGAACCAAACCTCGAACGCGACACCATGTATTT
GCTTGTAAAGCATCACCTGGGAATTTCCCGAAATTGGATTATAATCGCCGACTCTCGTCTC
>EP23028 (-) Dp[Gart] cuticle p.; range -499 to 100.

GTGATCTATAAAATCAACCTTATTTTCTCAGACAAAACCTTTCTTTGCTCTGATATTC
CACAATGGGAAGCCAATTAAAGGACACCCGAGTGTCGATGATCGCTATGGTATTTTCGAGT
TCCTTGAGCATGTAAAGTATTTTCAAGATCAGCCACAATATACTATATATGAAACTGTAAGT
GCCCCAACCTTCGAGTAGGGCATAACCATTCACGAATATTGTATATGTATGATTTTTTAC
CATCCACACTTTGGGAATTGCAGCGGCGACAAATAACATCGCTGATACCTATATAAAAT
AATACTTATAAGAAATAAAATCATTTTATTTATGACTGACTAAGGCAAGCGGCCCGCTG
CCGCCGAACGATGATGATGACGAGCCATGTCGGTGATGTTTCGGAACCTGGGTTTCCGAG
GCGAAAATATTGCCAAAAAAAATCCAAGTGACAGACAAGCGGATGGATATAAAAACGA
AAGCGTACGAGAAGCAGACAAACAGTTCCACTTGATACTCGAAAGACGATAGAACCAGAG
GATCTCTACTCCACTCCCGTCATGCATTTGCTTGTAAAGAAACCGAAAGCGGAAACGAGAA
>EP11020 (+) Dm glue p. sgs-3; range -499 to 100.

ACCTTTTTCTACCCGTTACTCGTAGAGTAAAGGGTATACTCGTTTCGCTGAGAAGTAAC
AGGCAGAATATAAAGCATATATATTCTTGATTAGGGTCAATAGCCGAGTCGATCTGGCCA
TGTCGGTCTGATTCTGTTTGCCACTCCACATTTTGAAAAATGTTTTATAATTTTTTCA
TATTTTTATTATCTAAATCTATCCCTTCCACACCTTAGAGCATTAAATTTAATTTCTTTC
CCCCAATTTTACCGATATTCGTGAAAAATGTTATACATTTTCCATTTCACTTGAAC TAG
CTAAGTAACGGGTATCTGTTAGTCTCGTTAGCGTTCTCTTGTGTTTTAAAATAAAGTCCA
GGCGATCGAGTCGACCCAAAAGTATCAAAACAAAGGGGAGAAGGCTTGTTTGCATAATC
GAAATACTGACTGACTTTTGAAGATTGCAAGTTTCAGTGAAAGCGTACCTATAAAAAGGTG
AGGTATCCGCAAGAAAAGTATCAGTTTGTGGAGAATTAAGTAAAAAACATGAAGCTGACC
ATTGCTACCGCCCTAGGTAGGTTTACC GAATGCTCTTGTGTTTTCGGTATTTGAGCCACTG
>EP07019 (+) Dm glue p. sgs-4^c; range -499 to 100.

CGATTTCAGTCAAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
ATATGGAAGACTGCAACAGCTGCGGTTAAGTAAACTAAAGCTGGTGCTCGAGATAAGTTG
GTTTAAGCCAACCCGCCGTCCAAAATGGAAAACATACCTTTCTATTCTGTAAATATTT
GTGAAAGACAAGTTCGAGGCACCCGCACTGTCCTACACTTCACGAACATATTAATAATAA
TTTTTGATTCCATATATATTGAATTTAATATTAATAATCATTAAACAAATGGGCTTTAATT
ACAATGCGCAAAACAATTTCAACAAGTTTATCATGATTACGCATACCTTAGCTGAATTAT
ATTTGTATATCGCTTACTTTTAGTTTCTTCATTTTAAACCGTAGAAATTGTTATTTTTTT
GTTGAGTGTATCTTAAATTGTTTCGATGTGTCGATGGCAAAATGCAGTGGGTATATAAAGC
GCATCACGCGGTATTGAATTC AAAGTCAAGATGCGCTTGGAGTTGTTGGTTGTGTTATT
GGTGGGGCTGGCTGCACTTGCCCCGTACAGTTCTACATGCTGTAAACTGAACCAACCGAG
>EP11021 (+) Dm glue p. sgs-5; range -499 to 100.

CAGAAGTACGCAGCTGAATGCAACAAACGTAAGTTGATGTTTGTATAGAAATATAGTTAA

TAACATAAATAATTATATCTTTTCAGCCTATATCAGCTACTCGAAGTGTTAAAAGATGACT
TGTAATTGATGATGATAATTTTACTACCTCGAACGCGTCCTTGTTAAAAATAATGAATAA
ACATTTTAAAGCAGCAAACGTTTTTGTACATTTGTCTTAAGAGTTGATTGACTAAGCGC
CTAAAACGGTGCATTATTACCTGATTTTATAAGTCTTCGTTGCTTATGTTTTTTAGAGTC
TGTTTTTAGGAACCTGTGTGATAAAGCTTTTTTTGGAGTGGAATAATTTATGGCTGTGTT
TTTTTGGCCAGTCAAGGTTGTTTGCCTACGTTCTGCAACATTTTACTTTTCAGATGCACT
AAGTCAATAAAGCGCTTTGCCACAACGCTAAAACAGTGGAGTGATTCAATATAAATAG
CCAAATGAGATATTATGGGGACAGTTATATTCTTAGCCACTTTTACGACATGTTCAATAT
TAAATTGCTGCTTTTGTATTGGCCGTTTCGTGGTCCACCATGGACAAGCCGTCAGGA
>EP11022 (+) Dm glue p. sgs-7; range -499 to 100.

GTTGTTGCTTTAACAAATTAACCTTTACCAGATGGTAACCGTTTATGAACACCCTACCCCT
TTTATAGCAAAACAAATGTGTTATAGGATCAATGGAAATTTTATTGAATTCATCCAAAAA
TAAATATATAACCATTTGTGCTTAAGCAAATAGAAACACGATATTAACTTCGCCCTTT
GTTCTCACCATTTTCTGTGTCATCGTTCATACTAATATAATATAACATTTTACATGCCCT
TTTTACTAAAGAAAGTATTACTCATAAAATGAAATCTAAATTATATCTGAGTAACAAATA
TATTAAATTAATAAGTATCTATAAAAAGTTAATTCTATAAATAAAGCGCCTGCCGTATAA
AAAGCCAAGTGTTTGGTGTTATTTTATTTAATAACAATTGGTTTGTCCAGTACTTTTTTA
TTTTTGGATGTGCTCACTGAAATTTTCCATTGATCCAGCTAACTTTTTTGCCTATATAAA
GGTGTTGCTTTCTTGAGTTGGTACCATCTGGTAAAGTAGTCTCAATCTAGATAGAACCA
TGAAACTGATCGCAGTCACCATCATCGGTAACACATAATAAGATCTTTAATCCACAACC
>EP11023 (-) Dm glue p. sgs-8; range -499 to 100.

GTTCTATCTAGATTGAGACTACTTTACCAGATGGTACCAACTCAAGGAAAGCAACACCTT
TATATAGCGCAAAAAGTTAGCTGGATCAATGGAAATTTTCACTGAGCACATCCAAAAATA
AAAAGTACTGGACAACCAATTGTATTAATAAATAAATAAACCACCAACACTTGGCTTTTT
ATACGGCAGGCGCTTTATTTATAGAATTAACCTTTTTATAGATACTTATTAATTTAATATA
TTTGTTACTCAGATATAATTTAGATTTTCTTTATGAGTAATACTTTCTTTAGTAAAAAG
GGCATGTAAATGTTATATTATATTAGTATGAACGATGACACAGAAAATGGTGAGAACAA
AGGGCGAAGTTTAATATCGTGTTTCTATTTGCTTAAGCACAAATGGTTATATATTTTATT
TTTGGATGAATTCATGAAATTTCCATTGATCCTATAACACATTTGTTTTGCTATAAAAG
GGGTAGGGTGTTTATAAACGGTTACCATCTGGTAAAGTTAATTTGTTAAAGCAACAACCA
TGAAAGCTGCTCGTTGTGCGCGTCATTGGTAAAGTGCCAAAAAGTACTATTTTTTATGTGAC
>EP17015 (+) Ay fibroin b'3a; range -499 to 100.

TTTTTTCCGCACCGCAAGAAAAGAGTAGAAATGTACCGTATTTAAATCCAGTGCGAAAA
TTTTCCCATAGAGTGCGCTTCCATACAATTCTATAGGTTACATATCTTGCGGAAATAAAT
TCGTACCAAAAAAAACCGAAGTGCGGGCAATAATAAAGTCTTGTAAGTATGTATGTATT
TGTAATGTAATCTGAAACTGTTCTGTTGGATGGACATCTAATATGTTTAAGGGTATTA
ATTAACGTATAACAGTCATAAGAAAATATTGTAATAAAATCCCATCGGTTATTCTTTAAG
AGACAATATAACCAACAACAATAAGAATCAGAATGTAATTACTCTACATTGTTTCATGAT
AGGGGTTTAACTATGATATTGTTTTAATTCTATAGGATTCACTTTTCCATTTTGTCA
ATATTTAAATGTTTATTTGAAATAGTAAACGACATTACAAAACCTTTCTGATAAAAGAGC
GCCGAAGTCTGGTCTCATTATCAGTTCCGTTCCAGCTCTCATAACCATGAGAGTAACAGC
CTTCGTGATCTTGTGCTGCGCTTTGCAGGTGAGTTCCAACATTTATTTAAATAATTTTCA
>EP07036 (-) Bm fibroin; range -499 to 100.

CTGTATTGACAATAATAAAACCTCTTCATTGACTTGAGAATGTCTGGACAGATTTGGCTT
TGTAATTTTGTATTTACAAATGTTTTTTTGGTGATTTACCCATCCAAGGCATTCTCCAGGA
TGGTTGTGGCATCACGCCGATTGGCAAACAAAACTAAAATGAACTAAAAAGAAACAGT
TTCCGCTGTCCCGTTCTCTAGTGGGAGAAAGCATGAAGTAAGTTCTTTAAATATTACAA
AAAAATTGAACGATATTATAAAATCTTTAAAAATATTAAGTAAGAACAATAAGATCAA
TTAAATCATAATTAATACATTTGTTTCATGATCACAATTTAATTTACTTCATACGTTGTAT
TGTTATGTTAAATAAAAAGATTAAATTTCTATGTAATTGTATCTGTACAATAACAATGTGTA
GATGTTTTATTCTATCGAAAGTAAATACGTCAAAACTCGAAAATTTTCACTATAAAAAGGT
TCAACTTTTTCAAATCAGCATCAGTTCGGTTCCAACCTCTCAAGATGAGAGTCAAAACCTT
TGTGATCTTGTGCTGCGCTCTGCAGGTGAGTTAATTATTTTACTATTATTTTCAAGAGTG
>EP11024 (+) Bm silk p. 25K; range -499 to 100.

ACAAATCCGTAATCAGAAGGTATTTAGCAAGGCATATACTATGCCTATAATAGAAGATTT
TGCTCAACAGAAATCCCGAGAGAAACCGTTATCGAAATCGTAACCAAAAAACCAGCAGCA
TTCTAATATCATTAATGACATATTATATCATACTGTATTTGATTACCTATAATAAAGGGT
CATACTCAGTAAAAAATGTTAATATAATTCGCTTTTTTTACTTTCCAAAAGGGCCTCAA
ATTCTTGTGTGTCCAAGGGCCCCATCTTAGTTTAAGACGTCCCTGGCTGTAGCCAGTTA
CTGCCACACAAACATGCTTAACTCGCGCCGCTACGTCGAGGAGAACATTTTGCCTTA
GAAAATAAAATGGCGTCGCCGCGCGCAACAATAAGAATTAATTCGTGCAATTGTTTCC
ACGACGCTATTTATTTAACGTTATTCTGTTGTGAGGAACAATACTTTGTATAATTAATGTT
GATCAGTGCCTAACGACGAGTTGTTTATTATTCGCGCAACATGCTGGCGCGGTGTCTAG
CTGTAGCCGCTGTGGCAGTTTGGCTTCTGCAGGTAAGTCCGATGTTTCTTGATTAGGTC
>EP28012 (+) Bm sericin; range -499 to 100.

TTGACGCACACACGCATGTATACTATTTATTGTCAAACCTTTTGTCTTGACGTCTGTGTT
CAAACCTGAGAATAGATTAAATATTGTTTGTCTTTATTAAATTTTTTAAATAGTGTAGTCT
TGGCGAAATTTGTGATTATAGAAGTATAAAATACAATCATAATAGTGTACAACTTACAA
TTCCCAATTAATTATAGTCGAATTTGCACTACTGCGGGACCTCTAGTATTAATAATTCTC
TTTAAAAAAAACAGAGCATCAAATACTGTCAAAATGTCAAGCGGGTCTCAACGAGCCA
TGAATAAATTAGAAATCAATTAATAACATAAAATAGGCAAAACAAAATAAAACCATTTACA
TAGAGAACGTTTGTGTAACAAAAACAATAACTTGTATACATTGTTTGCACAAATGTTTGA
ACCGAAAATTTATTACTCTCTACGTAAGCTTGATCAAACCTCGTTTTCTGTATAAAACGCG
TTGGCCCAACCACTTTGGCATAAGTCGTCTTATCATCGGGTCTCTAAGGATCAAGCGATCC
AAAGACCGCCACATGCGTTTTCTGTCTGTGCTGCACTTTGATTGCGTTGGCTGTGAGTAT
>EP56001 (+) Bm POU-M1/SGF-3; range -499 to 100.

TATGTGTTTAAATGACGTTCTGTGTATGTAAAAATAGTCTAAGACGTTACAGTGTTTGTAA
AAATGCTCTAATATATAATTAGTACGTTTAAATTTAATTAAATAAAAAAGAGAGTCTTAG
ATCGTGTTTCGATTTGTTTATTAAATTGGGGCCGTGACGTTATCGAAACGCGGTTGTAAGC
GGTATATTATTTAAACGAGTGTAAGTACAGTAAAGTCGACAAGTCAGTTATATTCGTC
TATATGACAAGGAATTGTACTGGGAAGCGCGCCGTGCGTCTCGGCGGAGCGTCAGGTGC
GGGTGCGCGAGTGCAGCGAGTGCAGCGAGTGCAGCGGACGCGAGACGTACAGAC
GCGAGAGTTTTCCAGTGCAGGCGCGAGGGGCGCGAGGGGCGGGGCAACAATTACACCGT
CATTAGCGGGCGGCGCGCTGGGCGGGGCGGCGCTGAGAGCGGCGGTGCGCGGGCGCGC
GCAGCCGCCGAGCCCCGAGTTGCTCCGTGCTGCCGTAGCGCACGCACGCGCATGTCGC
TCGCTGTGGAATCCGGTGATGTGAGGTGGCCCCGCGCTACCGCAGCGCAGCGCGACCC
>EP15008 (+) Dm chorion p. s36; range -499 to 100.

TATATCTCGAGCGTAAGATATTTATCAGTTTATAGATAACATCTTTAAATTTGGGTGATT
AAAAAAAACATTGCTGCAAGGCATGTTTATGTACACATTTAGTATAAGTCCCAAGTTA
AAATGCAATGTAAAAACATATAAAGGATATTAACCTCAAACCCAAAGGATTGCAGAGAGA
TTGCAGCACAGCTGTAATCATCGCAACAAGCAACCAAAACGAGACTCTCGTAGCGTTGG
CATCATATTTCGATCTTTGGAAGAGCTATGATTCAAGCCAAGGGAAACAACCTGCCAAAAAA
TAGAAGATTGCGACGAGCGGAAAGCAGAGTGGTGACCACGGTGATAGGTGCATAGGAG
GTTGGTTGTCTAGAGATCTGGGCACGATGGCGAGACAAAGATGCGGCGCAAAATCGGAAA
TGGAGATGGATCACGTAGCCGGCCATGGCGGGCAGCGATTATAGGCGCTATAAAGAGCCG
GAGTCATCGCCAGACAGCGAGCAGTAGACGATCCACACGTAAACGGCAACATGCAACTCG
GTCTCTGGTTTGGCATTGTTGGCCATCGCCGCCACGCCGTTAGTAGCTTTTATCCATGGC
>EP15009 (+) Dm chorion p. s38; range -499 to 100.

CAATAGAAAGACAATCGAATCTGCGCAATCCGTGTGAAATTCAGGACTACAGCTGGGTG
GCTAATCATTTCCCCCTATCCACTTACACCTCGGATTACCTCTTATTCGACTCCCGGAG
TCTTGTGTCTGCCAATGCGGAATATTTTCGCTATCTGAACAGACGTTTCGGACCTCGATA
TGCGGCAAGATTACAGCCCGGCTGTTGATTCCGATTCGGTGGCAATGTGTTGTTGTT
ATTGTAAAACGGGCAATGGCAACTGGGCGAGTGGGCGAGTGGGTTTTCGGGTTGTGGCTTC
TACGTAAGTGGAAAGAGACGCCGTGATATGCGCTGGCAGCGATGCGTGCGATCTATCAACA
TTTGGCCATGTTTCGTTTCGCATCGCGTGGGCCCGGAGCGGAACAGCCGGCACCGGAGTTG
GCATCAATCCAAATGTCACGTACCCGGAGCCGGAGACGCGTCCGGAGCATATTTAAAGTA
GTCGGCCACCAATGGAGGGCAGCAGAAGACAGCAGACAGTCCAAGCGGGAGCACACCAGA
AGCCGAAGAGCAACTGGAAGTGAACCTGGGAGACAAGATGACGAGATCGACCTACATTTG
>EP11027 (+) Dm chorion p. s19; range -499 to 100.

TATATATATTACAATAACATATTTGCCAATGTGCATAAAGGCATAGACTCTGAAGTTATG
TTTTATCGTTAAATTTGGTTTGTCTGTTTACTTGAAGGTATAGATAATATTATAAAAT
CCATATCCAATAACCATTTGGTCAGTCGTTGGCCGTTATCCCATTAACCCGCTTGCGTTC
CCGCACGCACCCAAATGCAACCATTTGTTTGGGCTCAGTTGGGAGCATCTGCATCTGC
CACCCCAACGAAGTCAACCGCGAATGGAGGCGATACGATACGCTGCGGTGAGCAACC
TGCTCGAGCCGAAACGAGCTCAACGTGGAGCCCGATATCTGGCTAGGAAAAGCTAGAAA
TCCACAGAAAGTTCCCAACAACTGGCCGAGAAGAGACGACGAAGCCAGCTCTTGAGCC
GTGATAAATTTCTGGGCGAGATCACGTTTCGAGTGCAACAATAAATTTGCTTATATAAAG
AAGTGTGCTTGCCATTTAATATGTTAATTCAGCCAAGTGTGCCAAAACCCATACATCAT
AGCCATGAACAAGTTGCTGTAAAGTGTCCCTGAGAACCCTTCCGTATTCCTGCCGCTC
>EP11025 (+) Dm chorion p. s18; range -499 to 100.

AAAGTGGAACGTTGTGTTTATAATTTTATTGTAATTTTATCTCAATTTTTTTTGTCTTT
GTATATAAATTTCTACCAACGCAGCAGAATTTTCAGGCCACTGCCTTGACTTCACTGTGTC
ACTGAAAAATCGGTGTCAAGCTCTCGGCACCGTGGGGCAAAAGCAACTGCAATACTGATCG
AACTATGCGGATCCGGAGACGAAGAGTCATGCGGTGCGAATCTTACGTAATGGGTCTC
GTCTCTGGTAGACGATGGCGTAAGCACAGACGCCTGCTATCTGGACCGGCCGAATTGAG
AGCCAGCATTTTGGCCAGTGGGATTCGGCTGGCTGCACGTCTCCGGCGGCGTCTCAAG
ATTGCTGGACAAAGAGGCGAGGCTGGAAGTGCCTGCTGCGGGAACCCGGAGAGCCGAAAC
TTGCATCATATTCGTACGTAAGAGTTGGGCTCTGCTGGATCTGGTATAAAAAACAAA
CATTGCGCCAGAATAAGACATTAGTTACCTTCGCATCGATCAACTAACCAACTCAGCCTC
AGAATGATGAAGTTCATGGTAAGCCTTAAGTTCCAATATTGTTTCTATTGACACCTCAAC

https://epd.expasy.org/cgi-bin/epd/seq_download.pl

45/812

GCTGCTGTGCAGTACTAGCATTCTCCGTCTAGTACCTGAATACAACAACATGTCTACCTT
CGCTCTCCTTCTCCTCTGCGCTCAGGCCTGCCTGATCCAANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25058 (-) Bm chorion p. A.L2; range -499 to 100.
TCTGCACTCCTTCTCTACTGGGAAATTTGATACTCCTCGTCTGCACAATTTTCGTA
AGGGGTACAAAGTTTTACTCCACGTAGATAGATTATTATTAGAACGCGTTTTACATTA
TATAAGTTTAAATTGTAAAGACGTACCTGTGCCACGAGGGCGGTGGCGCAGACGAAGAGAA
TGAGTTTAGCGGCCATGTTGTTTCACTGAGTGACTTCAGAATGAGTTCACTTGAGCTGCT
TCAGCTTTTATACACAACATTTGCCTTATCATTCTCGTAGAATTTATCTTAATGAAC
TTGACGTGACTTATGAGAATTTCAAATTGTAACCTTCAGAGTTAACACTGATTCTCGTC
AAATTTTGAAATAAACTAAAAATGTTAAACGCAGTAAGGATTACTGTAGTTTCACAAC
TTCATTATGAAATTTCTGTTATCCCAAGGTGACCACGACCCTCCGCTGCTATATAAGGTGG
ATTTTCTGTAGTTGGAACATTCTAGATCAAGTATCTGAATACATTGCAACATGTCCACC
TTCGCTTTCTCCTCCTCTGCGTTCAAGGCTTGCTGATCCAAGTAAGTATTTTCAATTTATT
>EP25059 (-) Bm chorion p. A.R2; range -499 to 100.
NN
NN
NN
NN
TGAGTTTAGCGGCCATGTTTTTTCACCGAATGACTTCAGAATGAGTTCACTTGAGCTACT
TCAGCTTTTATACACAACATTTCCCTTATCGCTCTCGTAGAATTTATCATAATGAATTA
TTGACGTGACTTTTGAGGATTTCCAAATTGTAACCTTCTGAATCAATAGTGATTTTCGTG
TAATTTTGAAATAAACTAAAACTTGAACGCGGTAAAGATTACTCTAGTTTCACAAC
TTCATTATGAAATTTCTGTTATCCCAAGGTGACCACGACCCTCGGCTGCTATATAAGGTGG
GTGTTCTGTAGTTGGAACATTCTAGATCAAGTGTCTGAATACATTGCAACATGTCCACC
TTCGCTTTCTCCTCCTCTGCGTTCAAGGCTTGCTGATCCAANNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25060 (-) Bm chorion p. A.R3; range -499 to 100.
NN
NN
NN
NN
TGAGTTTAGCGGCCATGTTGTTTCACTGAATGACTTCAGAATGAGTTCACTTGAGCTACT
TCAGCTTTTATACACAACATTTCCCTTATCGCTCTCGTAGAATTTATCATAATGAATTA
TTGACGTGACTTTTGAGGATTTCCAAATTGTAACCTTCTGAATCAATAGTGATTTTCGTG
TAATTTTGAAATAAACTAAAACTTGAACGCGGTAAAGATTACTCTAGTTTCACAAC
TTCATTATGAAATTTCTGTTATCCCAAGGTGACCACGACCCTGGGCTGCTATATAAGGTGG
ATGTTCTGTAGTTGGAACATTCTAGATCAAGTGTCTGAATACATTGCAACATGTCCACC
TTCGCTTTCTCCTCCTCTGCGTTCAAGGCTTGCTGATCCAANNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25061 (-) Bm chorion p. A.X1; range -499 to 100.
NN
NN
NN
NN
TGAGTTTAGCGGCCATGTTGTTTCACTGAATGACTTCAGAATGAGTTCACTTGAGCTACT
CAGCTTTTATACACAACATTTCCCTTATCGCTCTCGTAGAATTTATCATAATGAATTAT
TGACGTGACTTTTGAGGATTTCCAAATTGTAACCTTCTGAATCAATAGTGATTTTCGTG
AATTTTGAAATAAACTAAAACTTGAACGCGGTAAAGATTACTCTAGTTTCACAAC
TTCATTATGAAATTTCTGTTATCTGAAGGTGACCACGACCCTGGGCTGCTATATAAGGTGG
ATGTTCTGTAGTTGGAACATTCTAGATCAAGTGTCTGAATACATTGCAACATGTCCACC
TTCGCTTTCTCCTCCTCTGCGTTCAAGGCTTGCTGATCCAANNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25062 (-) Bm chorion p. A.X2; range -499 to 100.
NN
NN
NN
NN
TGAGTTTAGCGGCCATGTTGTTTCACTGAATGACTTCAGAATGAGTTCACTTGAGCTGCTT
CAGCTTTTATACACAACATTTCCCTTATCGCTCTCGTAGAATTTATCATAATGAATTAT
TGACGTGACTTTTGAGGATTTCCAAATTGTAACCTTCTGAATCAATAGTGATTTTCGTG
AATTTTGAAATAAACTAAAACTTGAACGCGGTAAAGATTACTCTAGTTTCACAAC
TTCATTATGAAATTTCTGTTATCTGAAGGTGACCACGACCCTGGGCTGCTATATAAGGTGG
ATGTTCTGTAGTTGGAACATTCTAGATCAAGTGTCTGAATACATTGCAACATGTCCACC
TTCGCTTTCTCCTCCTCTGCGTTCAAGGCTTGCTGATCCAANNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25063 (-) Bm chorion p. A.X3; range -499 to 100.
NN
NN
NN
NN
TGAGTTTAGCGGCCATGTTGTTTCACTGAATGACTTCAGAATGAGTTCACTTGAGCTGCTT
TAGCTTTTATACACAACATTTGCCTTATCGTTCTCGTAGAGTTTATCTTAATGAATTATTGACG
TGACTTTTGACACTATTTCCCAATTTTTCGACCCTCAAATCAACATTGATTGATGAAA
GTTTGAAATCCTTTCAGAAGGACTTAATTAACAACGAGTTAGTACAACAAACGGTGCTC

TGTTACAAAATGTTCTGTTATCTGAAGGTGACCACGACCCTGGGCTGCTATATAAGGTGG
ATGTTCTGTAGTTGGAACATTCTAGATCAAGTGTCTGAATACATTGCAACATGTCCACC
TTCGCTTTCTCCTCTCTGCGTTTCAGGCTTGCTGATCCAANNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25064 (+) Bm chorion p. HcA.12; range -499 to 100.
ATCCACAGCCACAACCTCCACAACCGCAGCCACAACCTCTACAGCAGCAGCCACAACCAG
TGCCCAAAACGGACTATGAACAAATGAAAAATTAATATTTTTAAGTAATCATTTTTAGG
TTCAATTAATTAATTTAAATTTAAAGACTTACCTGAGCCACGAGGGCGATGGCGCAGA
CGAAGACAATGAGTTTAGCGGCCATGTTGTTTCACTGAATGACTTCAGAATGAGTTGACT
CTGAACATACATCAGCTTTTATACCGAGCAGTTTCCTTGAAAATCCGCATGCCTCATATCT
AAATAGCATATAGACGTGACTTTGGAGATATTCTGCAGTTTTCGCCTTCGGGCGATCTAA
TCAGGAAACATTTACGAACACCTGTTTGATTAAAAACCAAACTATCATTGTTTCTCAACT
ATTTGTCATTGAATTGTTTCTTATCTCAAGGTGAACATGATTCTTAGTTACTATATAACA
ACGAAGTCTTGAAGCTTAAAGTATTCAAGATTAAGTGCCTGAATATCCAGCATCATGTTT
ACCTTCGCTCTTCTCCTTCTGCGTTTCAGGGCTGCCTGATCCAAGTAAGTAATTTTTT
>EP07037 (-) Bm chorion p. HcA.13; range -499 to 100.
ATCTAGAGCCGCAACCTCCACAACCGCAGCCACAACCTCTACAGCAGCAGCCACAACCGG
TGCCCAAAACGGACTATGAACAAATGAAAAATTAATATTTTTAAGTAATCATTTTTAAG
TTCAATTAATTAATTTAAATTTAAAGACTTACCTGAGCCACGAGGGCGATGGCGCAGA
CGAAGAGAATGAGTTTAGCGGCCATGTTGTTTCACTGAATGACTTCAGAATGAGTTAACT
CTGAACATACATCAGCTTTTATACCGAGCAGTTTCCTTGAAAATCCGCATGCTTCATATCT
AAATAGCATATAGACGTGACTTATAGAGATATTCTGCAGTTTTTGCTTCGGGCGATCTA
ATCAGGAAACAATTATGAACACCTGTTTGATTAAAAACCAAACTATCATTGTTTCTCAAC
TGTTTGTCTATTGAATTGTTTCTTATCTCAAGGTGAACATGATTCTTAGTTACTATATAAG
AACGAAGTCTTAAGCTTTAAGTATTCAAGATTAAGTGCCTGAATATCCAGCATCATGTTT
ACCTTCGCTATTCTCCTTCTCTGCGTTTCAGGGTTGCCTGATCCAAGTAAGTTTTACTTTT
>EP25065 (-) Bm chorion p. B.L3; range -499 to 100.
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAGGCCTGAGCGCAGAAGAGAAGGAGAG
CGAAGGTAGACATGTTGTTGTATTCAAGTACTAGACGGAGAATGCTAGTACTGCACAGCG
GCAATCCTTTTATACGAATAATTGTATTCTATAAGGGCGATTGCGACAAAGTGTGAAA
TGTAAGAATTGTAAAAAACTTCTTTTTCTTGATTGACACGTATCATTAGCTGTCTCC
AAAAGCCGCGCCACTAGTTAGGGTAATCTCTTATATAAAATTTCAAGGTATAGTAA
TGTAAGTTAAAGTCACGTTTTTGAGATAGGACACTTGAGAAATAGTCCGTATAAAACAGA
CACAACCTGACATCGAACTCATTCTGAAGTCATTCAAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCTGCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25066 (-) Bm chorion p. B.L5; range -499 to 100.
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAGGCCTGAGCGCAGAAGAGAAGGAAAG
CGAAGGTAGACATGTTGTTGTATTCAAGTACTAGACGGAGAATGCTTTTACTGCACAGCG
GCAATCCTTTTATACGAATAAGTGTATTCCAATAAGGGCGATTACGACAAAGTTTTGAAA
TGTAAGAATTGTAAAAAACTTCTTTTTCTTGATTGACACGTATCATTAGCTGTCTCC
AAAAGCCGCGCCACTAGTTAGGGTAATCTCAATCATATAAAATTTCAAGGTACAGTGA
TGTAAGTTAAAGTCACGTTTTTGAGATAGGACACTTGAGAAATATTCCGTATAAAACAGA
CACAACCTGACATCGAACTCATTCTGAAGTCATTCAAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCTGCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25067 (-) Bm chorion p. B.L6; range -499 to 100.
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAGGCCTGAGCGCAGAAGAGAAGGAAAG
CGAAGGCAGACATGTTGTTGTATTCAAGTACTAGACGAAGAATGCTATTACTGCACAGCG
GCAATCCTTTTATACGAATAAGTGTATTCTTTAAGAGTGATTACGACAAAGTGTGAAA
TGTAAGAATTGTAAAAAACTTCTTTTTCTTGATTGACACGTATCATTAGCTGTCTCC
AAAAGCCGCGCCACTAGTTAGGGTAATCTCAATCATATAAAATTTCAAACTATAGTAA
TGTAAGTTAAAGTCACGTTTTTGAGATAGGACACTTGAGAAATATTCCGTATAAAACAGA
CACAACCTGACATCGAACTCATTCTGAAGTCATTCAAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTT
ATTCTCTTCTGCTGCGCCACCGCCCTCGTACTTCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25068 (-) Bm chorion p. B.L8; range -499 to 100.
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAGGCCTGAGCGCAGAGGAGAAGGAGAGC
GAAGGTAGACATGTTGTTGTATTCAAGTACTAGACGGAGAATGCTAGTACTGCACAGCGG
CAATCCTTTTATACGAATAAGTGTATTCCAATAAGGGCGATTACGACAAAGTTTTGAAAT
GCAGAATTGTAAAAAACTTCTTTTTCTCGATTGACACGTATCATTAGCTGTCTCCA

AAAGACAAATTTACTAGTTAGGGTAATCTCAATCATACAAAATTTACAAAGGTACAGTGA
TGTAAGGTTAAAGTCACGTTTTTGAGATAGGACACTTGAGAAATATTCCGTATAAAACAGA
CACAACCTGACATCGAACTCATTCTGAAGTCATTAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25069 (-) Bm chorion p. B.L9; range -499 to 100.
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAGGCCTGAGCGCAGAAGAGAAGGAAAG
CGAAGGTAGACATGTTGTTGTATTAGGTAAGTACTAGACGGAAGTCTATTACTGCACAGCG
GCAACCCCTTTTATACGAATAAGTGTATTCCAATAAGGGCGATTACGACAAAGTTTTGAAA
TGTAATAATTGTGAAAAAACTTCTTTTTCTTGATTGACACGTATCATTTAGCTGTCTCC
AAAAGCCGCGCCACTAGTTAGGGTAATCTCAATCATACAAAATTTACAAAGGTACAGTGA
TGTAAGGTTAAAGTCACGTTTTTGAGATAGGACACTTGAGAAATATTCCGTATAAAACAGA
CACAACCTGACATCGAACTCATTCTGAAGTCATTAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25070 (-) Bm chorion p. B.L10; range -499 to 100.
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAGGCCTGAGCGCAGAAGAGAAGGAAAG
CGAAGGTAGACATGTTGTTGTATTAGGTAAGTACTAGACGGAAGTCTATTACTGCACAGCG
GCAACCCCTTTTATACGAATAAGTGTATTCCAATAAGGGCGATTACGACAAAGTTTTGAAA
TGTAATAATTGTGAAAAAACTTCTTTTTCTTGATTGACACGTATCATTTAGCTGTCTCC
AAAAGCCGCGCCACTAGTTAGGGTAATCTCATTATACAAAATTTACAAAGGTACAGTGA
TGTAAGGTTAAAGTCACGTTTTTGAGATAGGACACTTGAGAAATATTCCGTATAAAACAGA
CACAACCTGACATCGAACTCATTCTGAAGTCATTAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25071 (-) Bm chorion p. B.L14; range -499 to 100.
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAGGCCTGAGCGCAGAGGAGAAGGAGAG
CGAAGGTAGACATGTTGTTGTATTAGGTAAGTACTAGACGGAAGTCTAGTACTGCACAGCA
GCAATCCTTTTATACGAATAAGTGTATTCTTTAAGAGTGATTGCGACAAATTGTTGAAA
TGTAATAATTGTGAAAAAACTTCTTTTTCTTGATTGACACGTATCATTTAGCTGTCTCC
AAAAGCCGCGCCACTAGTTAGGTAATCTCATTATATATAAAATTTACAAAGTATAGTAA
TGTAAGGTTAAAGTCACGTTTTTGAGATAGGACACTTGAGAAATATTCCGTATAAAACAGA
CACAACCTGACATCGAACTCATTCTGAAGTCATTAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25072 (-) Bm chorion p. B.L2; range -499 to 100.
TTTTATATAAAGGATTACTAAGTGCGGGTGCATAAAGACAGACACACAATGAAGTATT
TGTTACCCAATACATGTGCTAAGTCATTATTAATAATAAAACAGAATACTTTCAATATA
AAATAAATGAAATACTTACTTGGATCAGGCAAGCCTGAACGCAGAGGAGGAGGAAAGCGA
AGGTGGACATGTTGCAATGTATTAGATCTTGATCTAGAATGTTTCCAACCTACAGAAAA
TCCACCTTATATAGCAGCGGAGGGTCTGTTGTCACCTGGGATAACAGAATTTTATAATGA
AAAGTTGTGAAACTACAGTAATCCTTACTGCGTTAACTATTTTAGTTTATTTCAAATTT
TGACGAGAATCAGTGTTAACTCTGAAGTTACAATTTGAAAATTTCTATAAGTCACGTCA
ATAGTTTATTAAGATAAATTTACGAGAATGATAAGGCAATAGTTGTGTATAAAAGCTG
AAGCAGCTCAAGTGAATCATTCTGAAGTCACTAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGGTACGTCTTTACAATTAACCTAT
>EP25073 (-) Bm chorion p. B.R2; range -499 to 100.
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAAGCCTGAACGCAGAGGAGGAGGAAAGCGA
AGGTGGACATGTTGCAATGTATTAGACACTTGATCTAGAATGTTTCCAACCTACAGAACA
CCCACCTTATATAGCAGCCGAGGGTCTGTTGTCACCTGGGATAACAGAATTTTATAATGA
AAAGTTGTGAAACTAGAGTAATCTTTACCGCGTTCAAGTATTTTAGTTTATTTCAAATTT
ACACGAAAATCACTATTGATTGAGAAGTTACAATTTGGAAATCTCAAAGTCACGTCA
ATAATTCATTATGATAAATTTCTACGAGAGCGATAAGGGAAATAGTTGTGTATAAAAGCTG
AAGTAGCTCAAGTGAATCATTCTGAAGTCATTGCGTGAACAAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25074 (-) Bm chorion p. B.R3; range -499 to 100.
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAAGCCTGAACGCAGAGGAGGAGGAAAGCGA
AGGTGGACATGTTGCAATGTATTAGACACTTGATCTAGAATGTTTCCAACCTACAGAACA
TCCACCTTATATAGCAGCCGAGGGTCTGTTGTCACCTGGGATAACAGAATTTTATAATGA

AAAGTTGTGAAACTAGAGTAATATTTACTGCGTTCAAGTATTTTAGTTTATTTCAAAT
ACACGAAAATCACTATTGATTGATTGAGAAGGTTACAATTTGGAAATCCTCAAAAGTCACGTCA
ATAATTCATTATGATAAATTTCTACGAGAGCGATAAGGGAAATAGTTGTGTATAAAAGCTG
AAGTAGCTCAAGTGAAGTCATTCTGAAGTCATTGAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCGCCGCCCTCGTGGCTCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25075 (-) Bm chorion p. B.X1; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAAGCCTGAACGCAGAGGAGGAGGAAAGCGAA
GGTGGACATGTTGCAATGTATTGAGACACTTGATCTAGAATGTTTCCAACATACAGAACAT
CCACCTTATATAGCAGCCAGGGTCTGGTGCACCTTCAGATAACAGAATTTTATAATGAA
AAGTTGTGAAACTAGAGTAATCTTTACTGCGTTCAAGTATTTTAGTTTATTTCAAAT
ACACGAAAATCACTATTGATTGATTGAGAAGGTTACAATTTGGAAATCCTCAAAAGTCACGTCA
ATAATTCATTATGATAAATTTCTACGAGAGCGATAAGGGAAATAGTTGTGTATAAAAGCTG
AAGTAGCTCAAGTGAAGTCATTCTGAAGTCATTGAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCTCAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25076 (-) Bm chorion p. B.X2; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAAGCCTGAACGCAGAGGAGGAGGAAAGCGAA
GGTGGACATGTTGCAATGTATTGAGACACTTGATCTAGAATGTTTCCAACATACAGAACAT
CCACCTTATATAGCAGCCAGGGTCTGGTGCACCTTCAGATAACAGAATTTTATAATGAA
AAGTTGTGAAACTAGAGTAATCTTTACTGCGTTCAAGTATTTTAGTTTATTTCAAAT
ACACGAAAATCACTATTGATTGATTGAGAAGGTTACAATTTGGAAATCCTCAAAAGTCACGTCA
ATAATTCATTATGATAAATTTCTACGAGAGCGATAAGGGAAATAGTTGTGTATAAAAGCTG
AAGCAGCTCAAGTGAAGTCATTCTGAAGTCATTGAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25077 (-) Bm chorion p. B.X3; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAAGCCTGAACGCAGAGGAGGAGGAAAGCGAAGTGG
ACATGTTGCAATGTATTGAGACACTTGATCTAGAATGTTTCCAACATACAGAACATCCACC
TTATATAGCAGCCAGGGTCTGGTGCACCTTCAGATAACAGAATTTTGAACAGAGCA
CCGTTAGTTGTACTAAGTCTGTTTAAATTAAGTCTTCTGAAAGGATTTCAAACTTTCA
TCGAATCAATGTTGATTTTGAAGGTCGAAAAATTGGGAATAGTGTCAAAGTCACGTCA
ATAATTCATTAAGATAAACTCTACGAGAACGATAAGGCAATAGTTGTGTATAAAAGCTG
AAGCAGCTCCAGTGAAGTCATTCTGAAGTCATTGAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCGCCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25078 (-) Bm chorion p. B.L4; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAAGCCTGAACGCAGAGGAGGAGGAAAGCGA
GAAGGTGGACATGTTGCAATGTATTGAGTACTTGATCTAGAATGTTTCCAACATACATAA
TATCCACCTTATATAGCAGCAGGTCTGGTGCACCTTGAGATAACAGAATTTTATAATAAA
AACTTGTGAAACTACAGTCATCTTTACTGCGTTTAACTATTTTAGTTTATTTCAAAT
TTACGAGAATCAGTGTTAATCTTAAGGTTACAATTTGGAAATCTCAAAAGTCACGTCA
ATAGTTTATTAAGATAAATTTCTACGAGAACGATAAGGCAATAGTTGTGTATAAAAGCTG
AAGCAGCTCAAGTGAAGTCATTCTGAAGTCACTGAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTCGTCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25079 (-) Bm chorion p. B.L13; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNTTGGATCAGGCAAGCCTGAACGCAGAGGAGGAGGAAAGCGAA
GGTGGACATGTTGCAATGTATTGAGTACTTGATCTAGAATGTTTCCAACATACATAATAT
CCACCTTATATAGCAGCCAGGGTCTGGTGCACCTTCGATAACAGAATTTTATAATGAA
AAGTTGTGAAACTACATTAATCTTACTGCGTTCAAGTATTTTAGCTTATTTCAAAT
TGACGAGAATCAGCGTTAACTCTGAAGGTTACAATTTGGAAATCTCAAAAGTCACGTCA
ATAGTTTATTAAGATAAATTTCTACGAGAACGATAAGGCAATAGTTGTGTACAAAAGCTG
AAGCAGCTCAAGTGAAGTCATTCTGAAGTCACTGAGTGAACAACATGGCCGCTAAACTC
ATTCTCTTATCTGCGCCACCGCCCTCGTGGCACAGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25080 (+) Bm chorion p. HcB.12; range -499 to 100.

AATTCGACCTCATGTCTCAAGATTTTTCTACGTTTTCTGTTTTATTACGATGATAATAG
AGAACAATGAAATGGTGCAAAAGAGGTCTACCGCTATTAAGTTAAAAATATTGCTTACAT
TCGGAAGCTTTTAAAAATATTACTTACTTGGATCAGGCAGCCCTGAACGCAGAGAAGGA
GAAGAGCGAAGGTAACATGATGCTGGATATTCAGGCACTTAATCTTGAATACTTTAAGC

TTCAAGACTTCGTTGTTATATAGTAAGTAAGAACATCATGTTACCTTGAGATAAGAAACAA
TTCAATGACAAATAGTTGAGAAACAATGATAGTTTGGTTTTTAATCAAACAGGTGTTTCGT
AAATGTTTCCTGATTAGATCGCCCGAAGGCGAAAACTGCAGAATATCTCCAAAGTCACGT
CTATATGCTATTTAGATATGAGGCATGCGGATTTTCAAGGAAACTGCTCGGTATAAAAGC
TGATGTAGTTCAGAGTCAACTCATTCTGAAGTCATTTCAGTGAAACAACATGGCCGCTAAA
CTCATTGTCTTCGTCTGCGCCATCGCCCTCGTGGCTCAGGTAAGTCTTTTAATTTTAAAT
>EP07038 (-) Bm chorion p. HcB.13; range -499 to 100.

GTCTCAAGATCTGTAAAATCCTCTAAGTTTTCTGTTTTTATTACGAAGTTAATCAGAGAAC
AATGAAAGGGCACAAAAGAGGTCAACTGCTGACCTATTAAGTTAAAAATATTGCTTACAT
TCGGAAGATTTTTAAAAGTAAAACCTTACCTGGATCAGGCAACCCTGAACGCAGAGAAGGA
GAATAGCGAAGGTAAACATGATGCTGGATATTCAGGCACCTTAATCTTGAATACTTAAAGC
TTAAGACTTCGTTCTTATATAGTAAGTAAGAACATCATGTTACCTTGAGATAAGAAACAAT
TCAATGACAAACAGTTGAGAAACAATGATAGTTTGGTTTTTAATCAAACAGGTGTTTCATA
ATTGTTTCCTGATTAGATCGCCCGAAGGCAAAAAGTGCAGAATATCTCTATAAGTCACGT
CTATATGCTATTTAGATATGAAGCATGCGGATTTTCAAGGAAACTGCTCGGTATAAAAGC
TGATGTAGTTCAGAGTTAACTCATTCTGAAGTCATTTCAGTGAAACAACATGGCCGCTAAA
CTCATTCTCTTCGTCTGCGCCATCGCCCTCGTGGCTCAGGTAAGTCTTTTAATTTTAAAT
>EP26037 (+) Dm chaoptin; range -499 to 100.

AAACACTGCTTGTGTATTATTAAATTAATGCCTTTTGGTTATAACTTTTCAAACTTTT
TTTCTATCGAACCTTTTTGTTCGGAATTTTAATTGTTTGAGCTTGTGAAACACGCTCTTC
GACGCGTTTTTCGCAACCTCCAAAAAGTCAGCAGTGCACACCGAAATCATGTTAAACGA
ACTCGTACAAGTTTTAAGCCGACCCAGAGGCTATTGCAGCTGCATTGGGAATCTTGAAAA
CCTGGCCGAAATCCGCTTCCGCCCTGCTCGCACTTTTATCACAGTGTTTTTGCCGGCCAT
ATTCTATACAAAGGTGAGCATGACCAGCATTGGCCATTCTCCAGTGAAGTAATGCTGC
AAATGAGGCGAAAAGAGTGTGTGCCAATGGTGACGGCGCCATCGAGCATTCCCGATATG
TTACAATCCAATTAGCCGGATGCGCCAGTTGGCCAAGTACAGTACTTGGCCCGTCGCTGA
TTGATTTGCAGTTTGTGACAGTGTGCTGGAACGCGCAGCGGTTTCGGTCTGTTTTTCCA
GCCCTGTTTTTCCCCTGAAAAGCGAACGGAATTTCAAGCAAGGATTTCCACGCGAGTGTC
>EP71001 (+) Dm non-muscle myosin; range -499 to 100.

ATACTTAGCTTGCACTAATTTGACCAATATTATAAATTGAAAAGTGAGTTGGAAACATCC
TTTGCTACATCTGAATATGCAAGTGAGTGAAATCGGCAAAATAATTTAATCTCATTCTTA
TTCCGGAAGTATTCGATTCCAATCGACACCGCTTGGCTTGAAGCCGCAATATTTTCGATC
TTAAGTGCAGTCATGAACAGAGGAAGCTGATGCGATACTTTGCTAAAAACTTAGATATT
CTGTTATAGAGGAATACAAATGACCGGACCTGAAAAAATGTTACAGGTGTGTCTTTAAACA
AAATCTAGATGCGATCCATATGTAGAATTTAATCAGTGTGACATATCGATGTATGTGT
TTTCAGAAAGCGCTGCCGCGCGCGTGTGTGAACTACGACATATCGATGCATCGATATGT
CCGAATGGAATCGGAAGGCATCGATTACCATCGAACTCGAAAAGTACTCGGTGCGCAAAA
CGGCAAGCGGCGAAAAACAGTGAAAAAAAAGGGGAAAGCGAAAAGACGTGCTCAGGAA
CTGCGGTGCAAGTCTTTGTGAGTGTGTGTGGGTGCAGCTGTGCGCAACAAATGAAAAGC
>EP26002 (+) Lm vitellogenin A; range -499 to 100.

CGACAATTTACAACCTGTTACACCAATGGTTTTTATGTCTACTTTCTTCCCGTGTCTGACC
TGCCCCCTTTGAGACTGAAACCCATTTTGTGTATTCCCGAGGCCATCTAACCTAAAAAAA
AATTTAGGTGTTCTTTCTTCCCGCGCGCTATTAGAGAATGGAACGGTAGAGAAAAGTTAT
GAAAGTGTTAATGAACCCCTGCGCAGGCACTTAAATGTGATTTGCAGAGTGTCTATGTA
GATGTAGATGTAGAAATGAAGGGTTCGTAACCTGCCTTTGCCATCTCTTAATCTAGGTTT
AAGATTGAACTTAGTGGAAGGGCAGATGGAGAGGAAGGAATTGTTGCGAGCTGATACT
GGCAGCTAGCTGTGAGAGGTGCGTAATCTGGTGGGGCGATGTGCCGCATAAGCGGGCAC
GTGTGCGCTGACCCTACGGGAGAAGTGCTGAGGCAGGCGCCGAGCCGCTATATAGCCCC
GCGCGGGGCTCTTCTGTCACCACTGCTCCAGTCCACACAATCATGTGGGCCGTGATCC
TCTTGGGGCTCTCTCGGTAAAGTGTGCCAAGCTCACAACTTAGGTGCCACTGGCAGCAGN
>EP26003 (-) Lm vitellogenin B; range -499 to 100.

AAAAATCGATTTGATGTTTGTGCGATTATATCAAGTGATCGATCTGTAATATTATTACAA
TCATTATTGTTGAATTTGCGGATTGGATTCTTCGAAACGAGTGCAATTTTTTTTACGTGTG
AATTGATCTACGCTACTTACTATTTCAGTCTCATAGCACACTACTGAAAGATAGCTTATCT
ATCATAATCAACTAATAGTAATGCGGCGGAGCCGCGGGCTTAAGCTAGTTATTATTAAT
CAATGTTTGTGTCGCCAAGAGTTCTATAACAAACGGAACGCTACCATGGAAGAGAGAG
AGAGAAAAAAGAAGGAACATGTCCAGTCGAAACTGCATTATCGCGTGTACGGCGCGAAA
TGTGTGGCGGTGCACGTTATCGGTTGCCAGGCTGGGGCATCTTGTGGATTTCAGGAGTTGT
GCGCTCGCCATGCGTGACCCCGGGCTTGTGACTGGGCTGGTGGCAGGGTATATAAGCCG
GCGGCGGCTGCGGTGCGTACCAGCTGCTCCCGAGTCTCACAGCCATGTGGGCGCTGAT
CCTCTCGGGGCTCTCGGTAAGTCCCGCACTTCTAACTTACCTCACACGTATACTCCCN
>EP07022 (+) Dm YP1_1; range -499 to 100.

TCTAGGAATCAATGAAGTGTATCGGCCCTTGAATTGAAAATGCAAAATTATGGACTTTTAA
TTAAGCAGAGAAAAGTGCCAAATATAAATCTACTTATAAACAAAAAAAATCAATAAAAT
GTTGTATATAATAACCAACTAATGCCCATGTTAGATCTATATTTTATGCATTTATTTGAT

CAAATCCGGTGCACAACACTACAATGTTGCAATCAGCGGAGCCTACAAAGTGATTACAAATT
AAAATAATCAGCGCGCAGCAGGTGCTGCTAAGTCATCAGTGGGGTCAGCTATAGGTAGGC
CCCGTGTCTATTTTGTATGTATACAATTTATTCGCTATCGATAGCATATACACTCATCC
GATTCCCAGGCACCCGAAAACCCCTTACTCAGCACAAGTGACCGATTAAGGCCTGAGCCAG
CGAAAAGCGAGTCAGAAAATGGGAAATCGCTCAGCGCAAATTTGTTGATATAAAACCACCA
TCGTTGGATTTGGAAGGCCAGTTCAACTCACTCAGTGTGAAAGTCGCATCCGCAGGACCA
AATCCCAAATCCGAACCATGAACCCCATGAGAGTGCTGAGCCTTCTGGCTTGCTTGCGCG
>EP07023 (+) Dm YP2; range -499 to 100.

ATATTTTATATTTATAATATTATAATTTATAATATATTTATTTTGCATTTCCTGAAAGTG
CTATCTGCTTATAGAACAATTTAGACAATTTCTTTGGCAAACACTTAAATAGTTGCATAA
ATTTACAAAAATTGCCAAATATTTTTTCAAACAAAAGCTTTATCTTGACCTGTGCATGA
GTTCAAGTCGTGCCCCACTGTCAAGCCCCCTTAATGGCCAGACCACCTTTTGTATGTT
ATGAAAGTGCTGGTTAAAGAAGTTTCCCATTAACCTGTTACCCGATGGATACTTAATAACC
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGAACGAAATTTAGAGCTCATCAGAAGTGTGCAAAATC
ACTGACGCTGCGAATCAATGCATTTGTGCTGATCCAGAAATCGTTGCTGAAATCAATTG
CTTCCGGCGCGTGCAATTATAGTGTATAGACTACCGATTCCAAGGGGTATAAAATGCAT
TGAGTCGCGCAGTGGGTATGCAGTACAATTTGGTACGGTGTCTGAAAAAGTCGAACTTG
GAAGCCACAATGAATCCTCTGCGCACCCCTTTGCGTTATGCGCTGCCTTCTGGCGGTGCGC
>EP15010 (+) Dm yolk p. YP-III; range -499 to 100.

TACTAGAATACATTTTAAAGTCGAGAGAACAAAAATTTGCATTACTTTGGGAATTATATGC
ATAAATCTGTAAGTGCTGTTAAAAACCAATGATAGTGATGATACAAATATATCACGATGC
AATACTACTAGTGGTCAACGATTTTCCAATAATCTAAATCTTAACACTTTATGAATGGAT
TTTTTTTTGCCATTTTTTGGCAAGTGTGAAGAGGTTCAAAAACCTTAGTGCGATAAGAG
AACTAAATGTTGGCAAACACACACATGTGAAATAAATCCGGCTATTTGCAATCAATT
TTCCCTTGACTTGCACTTTATACACCGGCGACAGATCAGCAGAACGAAAGGGGTGGGGAA
AAAACCTGGAAGCCTAGACAGCGGACAACGACGACAACGACGACGACGACGACTTCCT
GGTGGTCAGCAGAAAATCGCTGGCAGTGCCTATCTGGAATCTGAGCTATATAAGCCAGA
GATGGGGCTGAAGGAAGCCATCAAACGTCGTTTAGCGTTTGGCCTGATCTGATTCAATTC
CGGATTTGCACCAAAATGATGAGTCTAAGGATTTGCCTGCTGGCCACCTGCCTCCTGGTG
>EP07021 (+) Ct globin IV; range -499 to 100.

CGGCGAAGCACAAAGCAAGAATGAGGAGTTTCATTTTGATTGGTTTGTGAAGTTACAAC
TTGAAACGAATTGAAGAATGATTTACTATCGAAATTTGTGCTCCATTTATACTTAAAA
TTTTGAGAAGACATTATTGTGAAAAGCTGTGAGATAAGAAACATCGTTATGCAATCAAAA
GAGATTTTCTATTTTGTGTTTTTACTGTTTTCAACCACATAATCATTAGAAAAGGTCAA
CAAACCTCTATAATAATTTGAGCTTATTTAATTACCTCTTTTTCAATACTAGTGATATTCT
GCTCGATATTCTGGAATAAAATTTCCACATAAATAAGCTTAAACATACATTTACATT
AAGTATAATCAATTTGAGTGTGTTTTTAATACTCATTAAGCTCATCACGTATCAAATA
ATTACCAAAATGAGCAATTTCTCCAAGCTTCTCAAAATTTTAAAGTATAAATGGAGCA
CAAATTTGATAGTAAATCAGTTCCTCAATTCGTTTCAAAGTTGTAACCTCACAAACCAA
TCAAAATGAAATTCCTCATTTCTGCTTTGCTTTGCCGCTGCATCAGCCTTGACTGCTG
>EP16022 (-) Ct globin VIIIB-4; range -499 to 100.

TGCTTTCTTATCGATATGCTTATCATAGTATTTTTTAAACCTTATCATTTGTTGTTTGT
AATGAACATAAGAGTTTGCTCAATTTCTTTACTGGTTACCACCAACATAACATTAATGTC
AAAGGCCAAACATATTTTGGAACTTAGTTGTGAATATGTGATTTCTGTGATGTCATTATA
ATTGTGAGATCATAATTAATAATTCCAACAATTCCTTTATATTAAATTTATTTGATAAAT
TTTGATCACTTTTCATAAATTTACGATTACAAAGCTTCCGTTCTGTTGAATTTCTAAAATA
ATTTTTCTTTCCGCGAATAATTTCAATGATTGAATAATTTATACTCATAATCACAATCC
GCCTTATACTCATCCTAATAAATTTGTTTTCTTCTTGGCGTTCAAATATTCTTTCTTCTAT
TCGTTTATGTTTGTGTTGAGATGAGATTTCTAAAGAACTTCTTTAGTATAAAAGGAGCT
CTAATTTTCATAGTAATTCAGTTTTCTGATTGACTTGAATCTAATAACTAATCCAGGCAA
CATGAAATTCCTCGCTGTTCTCGCTCTCTGCATCGTTGGAGCTATTGCTTCCCCATTGAC
>EP37002 (-) Ct globin VIIIB-5; range -499 to 100.

TATTTTTTTTGTAGTCTCTAGAAATTGCGATAGCCAACTTTATCGAATCAATCTTTAAA
TTAATTCAATAAATTTGTTTCTTAAATATCAAATTTGTTTACTCTCAATTTTAATTATTTTA
ACCAAAAGCAAAATAAAAAATTATGTCATTTACATTATAATCTTAAATTTCACTTTTTT
TTATTTTATAGTGGCCTTGAAAAGGTGCGATCACCATGTACATTTTCAATTTCTATGTAAGTCA
GCTCATATGCAATTTTGTGTTGACTCAAAAAAGAAGCAATTGAAAATAAGAAAACCTT
TATGTGACGAGTTCATCCATATAATGATTGAGAAGAGTAAATCGCGGTTATCACTTAAAG
ACAATGAACATAGTATTGGTATTTTTGTATACATAATCCGTTTCATCCTATAGTTTAACT
AATCTTTGTTTGTCACTGTATTGTGATTTTTTGGCAAATTAATTGTATAAAAGCCACA
ATAATTTTCAAAGTAATTCAGTTTTCTGATTTGACTTCAATTTCAATTACTAAGTACAAA
ATGAAATTTCTCGCTGTTCTTGTCTCTGCATCGTTGGAGCTATTGCTTCCCCATTGACT
>EP37003 (-) Ct globin VIIIB-6; range -499 to 100.

TCAGAAAGAGCAACAACCTTTCTTTCTTACGAATTTGTTCAAAAAAAGTTTACTGTGAT
TTTTATAAAATTC AACCTTGATGAAAAAAGCTAGCTTTATACCTTAAACCTTATGCTG

AGCGAGGCTCAGCTGATTGCTAAATTCATCATTCAAACCTTATGTTAAGCAAATCTTGGT
CTATCCATAAGACTTTTGGATGGTACGGTGTGAATATATACGCATTGGGTTTCTACCCGAT
ACACTAGTTTAAACTACAATTATGCAACATATAAAATAAATAACTGCGATAAGATTATATT
TAAAGCGGGCTCATCTAAATTTGATAATAATAGGTAAATTCGCTTATCAAAAATAAAAC
TAGCGCTTGGATTGGTTAATGCTATACGCAATCTATTATTGTTCTGAATAATAAGAACAA
ATCATTGCTTTATGGCTGTATTGTGATTTTTTTGGCAAATTAGTTGTATAAAAGCCACA
ATAATTTTCAAAGTAATTCAGTTTTTCGATTGACTTCAATTCAATTACTAAGTACAAA
ATGAAATTCCTCGCTGTTCTCGCTCTCTGCATCGTTGGAGCTATTGCTTCCCCATTGACT
>EP37004 (-) Ct globin VIIIB-7; range -499 to 100.

CCATCGTTGTCCACGCTCTTTAAATTATTTAACTTCTAGCTAAATTAATTTATAATTATG
TGCTGAAGAATTAATAAACATCAATAATTCTCTGTGATTTTTTAAACATCTAAGTTTTGC
ATGTCTTTTGACTTTCTATTAATAATTAATTTTTTTCAGGAATCTTACAATTATTTTGCCCT
GCTCACTTTTCATCTATTAAGGTCTCCGGAAGAAAGTCTCCATTTATTTTATTGTTAACA
TTTTTTTCTAAACACTGAATCTAACCGTTTAAACGTTCTAAGTACATACAAGATGCAC
TATGATCTCAGATAAGAACGATAGATGTTATTTAAATAAATGCTCTTATCAACAATAGC
TAGTTTTTGTGTTTGTAGACATAAATCATTAAACCCCAATGCGTTTTATAGTTTCTACTA
ATCAATAAATTTTCAATGTATTGAAACTTTTTTGGACAACAGTTTTGTATAAAAGCTGAA
CTATTTTTTCATTAGAATTCAGTTTTACAATTGCATTTGAATCTACAACTAATCCAAGCAT
CAAAATGAAATTCCTTCGAGTTCTTGCACCTTGTGTCGTTGGAGCTATTGCTTCCCCATT
>EP46001 (+) Dm DNA pol a'; range -499 to 100.

AACTGCTAATGGAAAAGTTTTTCTTTTTGTGATCCACTGCAATTAAGCTGAAGCTCG
AAAATGTAAATCTAAAGAACGCCCTTTAAATGGTGATCATTGTTCTTTCTTACTTGGT
GAATTCATTTCAATTATCAGGTGCGATTTCCCGCCAAAATATAGCAGTCATTTTAAATCG
CTGTAAGTGTATGTTAACTATTCGTGTTAACTGTAATCGATCATTTGTGCTTACAGATT
AGACGCTAACAGTGCCAGAGCTAACATAACGCGCTGCCACCTATCGATATATTACCACT
CAGAAATTCATAAAATAGAGATGTTACTTAATAATAAAATTGCAATTTGGGATTAAGTTA
TTGTATGGCTTTTATTTTTTTAATTTCTTACATTCTTCTTCTTAAACGACACTATC
GATATTACATTGCAAAAGTCCGGCAGCGCTTTATGTATCGTAGCTCTGTTATCGATATGT
TCCCGCCATTCCCGCTTTGATCATCTCCAGCCCTGGTCACAAAACAATTTTGGAACT
GCAGCACAACACGGGGAAATTATTATCAAAGTTAGCCAGTTGCAATGTCTGAATCACCGT
>EP23026 (+) Dm GARS-AIRS-GART; range -499 to 100.

CCAGTTCTTTTCGATGTTTATTTGATTTACAAAGTGATCCTGATAAGCGAATGCAATTTG
AGTTATTGCTCCATTTACCCCGAGCGATCGTTGATTTTGAGGGGTCGCGAAAGGCTATC
GTCGTGTTTTTGTATTATTAGCAACTTTTCCAATCGCCAGCCGAAACAAACAAACAG
CAGCGGTTGCACTGGAAAAAATGCGCTAGCACAGGCAGAAATTGTTTGTCAACTTTTA
AAGGGTATGTACTATACTACTATGTCAACTGAACTATACCATCTATGTATATAGGAGAA
ATCTAGTTACCATGTAGTTGATTTTCGTCTGTGTAGAAAATAATGCAATCAACCCACTGG
AAGCGCTCTTATCAGCCCTGAACCTGAAGACAAACATAATCGCGCGCATGGGATAGGGT
ATTCATATTCACACATTTATGCACATACATACACATACTGTGCCTACCTAGTTTCCAA
CTTCTCGATTCCAGATTTTAGTTGAAAAAGAGGCGTCGAAGCGAGCGGTTTGATCCGAAT
TCGAAACCGAACCGGGCTTTAACTTCAATTTGCGCGTGCTTTTCGATCAACACGTGGGT
>EP47005 (+) Dm[dnc] PDEase E1P1; range -499 to 100.

TTTTACATCCTGTGATGTGATGGCCAAAGATGGAATCGCACTGAGCGTTTATTTTTCGAA
TTCATTATCATATGATGTTTTGATGTTTAAATATTGCTCGATTTATATGGATAGTTTATG
TTGCTTCAGCGATATTTCAAGGAAATGTGCACTTTTTTTTGCTTTTGAGATATGAACAA
ATCACGTAGGCTTAAAGGGTTAACTTCTATTTGTTGACGTGATCTTTTGTATTGCTTT
AGTTATAATTAAGATTTGTCCGCTTCGTGATTTGCCATTTCTCTGCTTAGTTTTCTCTC
ACGTTTCACGACGTTTTCGCTTTCCATTTTCAATTTTCAATTTTATTATGACTTT
TTTGCGTGTGCGATTAAACCGCCGCTCTCTCCGCGGTTTCAGCATGCTGTTCTATTTT
CTATTTTTCCCATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAATTTTTCTATTTTGAATTCAGAGGCTGT
TTGCTTTATTCAATTTAGATGGATTTCAAGTTGATTTTGGCGCGTTGTGCTTGAGCGATC
ATCTCGCGCGAAACGCGATCCCCGATTTTGGCATGGAAAAACGAAAGGCAATCAAAGCA
>EP47006 (+) Dm[dnc] PDEase E2P2; range -499 to 100.

CGTATTCGGGACTCCGATAATGGTGCTCTCTACTACTACTTTGCGCACTTCATTCAAGT
AGAAAAGTAGTGCCATGGTCGCACCGCACCTTAAATACTCTCGAAATAGTGAGTGAGCAT
AAAATGGGTACATTTTCGAGTCATTTGTGTTGGCGCCTTATCAGCATTTTGCATATG
ATAGTACAATATTAATGTAATTAAGTGAATATTAACAATACAAAAGCTTTTTAG
CTTAACCTTGGCCAATGATATAATTTAATTTGATTTATACACACTTACTAGCATCTGCG
GTCAACTATGTATTTTGTGAACGCGTATTTGTATTCAACACTAGACAAAATAGATTCAAT
TCACTTCTTACGCGCACGCGTTTCAATTTGTTTCTCTTTTGGCTCTTTTCGCTCTG
CTCTCCGAAGTCGCGCTGCTGCGGCGCAATTCGCCGCACTTTCTGCCTTTCTCTGCT
TTTCCGCTGCTTTTTCGCGCAGTGTAGTGCGGTGCTGCGAGAGAGCATCGCATCGGC
ATCACAACGCATATCGCATTTCTGTGTGTGTGTGTGCGTGTGGGTGCGTGTGTGTGCGC
>EP65001 (+) Dm dhod P1; range -499 to 100.

ACCAGCGGCCACCCATGTCGTAGATGTGGATCTCTTTAAGCAACATTAAATCAAAGTA

AGGAGAGGGGTTTCCATGATATATGGTATATAGCATATGGCATACATGGTATTGCAACAA
GTGATCCAGACTATAGTTGTCCCCGGACAACCTTGTGGCCACGAAGACGAGTAGGCCAAG
GGTGAAGTACACGCAGAAGTCATGGACACAATCTGTGAGGACAGCAGCGTGGGATCCCA
CTGCGTGTGCGAAAGGTGCCGCCCTTCATGGTTGCCTCGGGTGGCCAAATCAGCGTTTA
GAGAACGAAATTTCTAATTTTTAGCTGGCCATAACAACTGACTCAACCATTAGAGGTGA
CACTGGAGGACTATCGATTCTCTCGGCATGGTTGTGAATAGAAGGGGTTCAATTTGCTAC
ACAGAAAAAAGAAAATTATTGATGCTTGCCGTAGTAAGTATATATCGCATGAGTTTTT
CTTCAAAATGGCCAGACTTACTCCCAAATTGAATTTTCGTTAAACTCTAGTACATGCAT
TTACTTTTTTACATATTATACTTTTAATACTCTATCGGGTACAATCGATATCCGGCGATA
>EP65002 (+) Dm dhod P2; range -499 to 100.

CATACATGGTATTGCAACAAGTGATCCAGACTATAGTTGTCCCCGGACAACCTTGTGGCC
ACGAAGACGAGTAGGCCAAGGGTGAAGTACACGCAGAAGTCATGGACACAATCTGTGAG
GACAGCAGCGTGGGATCCCACTGCGTGTGCGAAAGGTGCCGCCCTTCATGGTTGCCTCG
GGTGGCCAAATCAGCGTTTAGAGAACGAAATTTCTAATTTTTAGCTGGCCATAACAACT
GACTCAACCATTAGAGGTGACACTGGAGGACTATCGATTCTCTCGGCATGGTTGTGAAT
AGAAGGGGTTCAATTTGCTACACAGAAAAAAGAAAATTATTGATGCTTGCCGTAGTAAC
TATATATCGCATGAGTTTCTTCAAAATGGCCAGACTTACTCCCAAATTGAATTTTCGT
TAAAACTCTAGTACATGCATTTACTTTTTTACATATTATACTTTTAATACTCTATCGGGT
ACAATCGATATCCGGCGATAGTCGTATGGATCAGGATCACTTAAAGAATGCTAAAAACG
CCACGCGGAGAGTTGTGAGTAAAGTACGGCTTAAACGGGACCGGATTACAGAATGATTCC
>EP65003 (+) Dm Rbp9 E1P1; range -499 to 100.

AAAACATGTTGTTTCATTGACAAAGCTAAAAGTAAATATATATTTTGTACAAATATAATTA
AATTCAGCCGCGAGCTAAAACCAAGTACACTTATTAAGTTTAAAGCAACAACAGAACAACA
ACCAATTTAATATGCAATTACCGTAACAGTAGTTGATAAATCGAACGAATAAAACATCAA
AAATTGTAACATTTACATAACTGCCTTTTGTGCTTGTCTTTTTTAACTATGGATGG
TTGTAATAACGGAAGGAGATGCTTTAAAAATTCAGTGTGACCAGGCAAGGTTATAAATTC
ATGTCCATCTGTTTCAAACAAAAGCTGGAAATTCTTAACTCCTGTTCTTAGGGGAACAC
TTGAAGCCGAATGCAATTAACGATTTCTTATCTTGATAATGCTCATGACGAAAGGAAG
TTTCGATCAATACGAGAAAACTTTTTGCATGATTAATCGATCAGTGTGGAAGTCGCC
AAAGTAGTCTGTGAGTGTAGCAACTCAACGTGTTACTTGTGTGCTTTTCGACAGCGTGG
TGTCGATTCTTGAATTCATCGTTTACAACCTTCATCATAAGGAATGCAAAATCAAAGCGA
>EP65004 (+) Dm Rbp9 E3P2; range -499 to 100.

GTGCCCCAAGCTGTATATTGAAAATAAAACAGCACTTCTGCATCTCACTGATGTGCAATGG
CATTTAAGCTTATCCTGAAACGTGTGTCAGGTGCATTTACTTATTTCTATACATTTACAAAT
TGTTGCATAGGTTGTCTTTTGTGTTAGTTGGGACCGAAATCCATTATTTCAAATAAAAT
AGAACAACATTTTGGATATAACAATACATATTTAGCATATGTCAGGTCAAGTCTAATATTA
TTATCTATATTTGCAACACAAGAAAGTAGAAGGGTTAAAGTTGCGCTCAATGTTTGAAT
TTGTCCCCTGTGCATGCGAGAGCAAACTACGCAGTTATGCTGTGCATTCGCCACCGCC
CCCCTCCCGCCCTCTGCAGGGCCGTGCTCAACTGTACGCCAATTGGAGGAGAGGAGGAGC
TCTGCCGCTGGGGCCGCGGACTGCGGCGCGGCAGCGCTGTCACGGGTCTGGCTGCAGTT
ATCCTGGCGCAATCGAACACTTTAATCATTTAGTTCTTGCACTCTCCGGCAGCAAGTTG
TGTTTTTTGATTCTCGTCTGATTGTCTGCTGTTTCTGAATTGTTGTATATCGGTATCAAAA
>EP65005 (+) Dm Rbp9 E4P3; range -499 to 100.

TTACCATGACCGGAAGGCGGCTTATTTGAGCAACTGCTTTGCAAAACAGATTTCCCGGAT
TATGCGCAGCTGTCTTTGGAACCAGAAATGCATTCGTAACCTTTGGAGTCAAGCAGATACT
CTGTGCAATTTTCGATTTAAAAGAAGTTCCCATACGCAATTATAGAAATACTGTGCACGT
AAGTGTGTATGTTTGCGCAAAATCCAATTATAAATTACCTCCGCGTCGAGCATCTGAGG
AATCCACCTTGGGATATATGTGCTCGTGTGTAGGAAAACATATAGCCGTGTAAGTTTG
ATCCATTTCCCATCGGGTGGCTTCTCTTCCCGAGCGGGCGAAGAGCGCTCGACAATGAC
GAATTTCTGTTTCTGGCCAAGAAAGCGCGCTCTCTGTAGCTCTTGGGGCTCTGCTCTCCC
GATTCTTGGACATGAGGCAGCAGTACGATTGCCCTCGTCGGTGGGGCATAAAAATAATTT
CCACGCCGCTCGGCAAAATCAGTTTATTTCTGTTCTGTTGAGTTGCAGGAACGCGTTCTTT
TCTACTTTCCGTTCCGTTTTATTTCTTATTATTATTGTTATTACGAATTAGTTTCACGT
>EP23031 (+) Dm GAPDH 1; range -499 to 100.

GATTGTTTTTCGAGAGCTATTTGTTGTCAATTCAATTCAAAGTCTAGAGTGACCATGTATC
GAAAAGTATCGATCTATCGATTGTTGCTTTTTGAATTCAAAGTCTAAGGGCAAAACGTAAA
ATAAATATTTTTAAATTGAAAGAAGAGCTCTAGAAGTCTAAAGAACTAACTTGGCAACAAT
GTTAAGAAAACTTTAGTGCAAGATGAAGGAATTTTATACTTGACAATGCTAATTTTTGT
ATAAACTTAATTACGTAAAGGGTCTACAACCCATATATATCATTAGTTGTTAGAGGCTC
TTTTTAAGGCGCTTATATAATCAAACCTTTGTAAAAATTAAGTTTTAAATGGAATTCT
AATCGATTTATTTACATTAGCTTTATTTAAGTGTGACCTACGCAGAAAGCTAGCGAAAT
ACTCATCAACCTCCCCGCCATCGCAGCGCCATTCTCCTAATTTGCGAAAAAGCTCCG
GGAAAAAGGAAAAAGCGGAGTCGTAATAGCGAACTGAACTGAACGAGAGTAAAGTGAA
AAGACAGCAGGAAGTCAAGCATGTGCAAGATCGGAATTAACGGATTTGGCCGCATCGGCC
>EP23032 (+) Dm GAPDH2; range -499 to 100.

GGATTTTTCCATTTGCATTTACTTATGTACATATTTATGTACAATATAACCAATTGATGT
TCATCAGACGTGCTCATATATGTGTATGTTTCGTGTGCCATATATATGCACGTATGTAATT
GCCGGAACCTAAGCTCACAAGAAAGCTCAACTTCCGTCAACAAAATTGAGCAGGTGAAAT
GGCCATAAAAATATCCCAATAAACATTTGTCGTATAAAATTAATAATCCATATACTTTA
TAGGTCACCTTAAGTGTCTAAGATCAGAAGTTTTTAAAGTTAAGCGTATCTTATGTACAT
ATCTACTTATTATATTCATATAATGATGCTTGCAAAAAGCTATTGGGTAGCATTGAGCT
TTCAGGTTACTGAGAGCAAAAGCTCTTTTTTATTGCGGTAGCCGCTCTCGAGCTTGACAT
GCACGTCCTTCATCTGACTTTGAACAATTTTTCGCCGAGTTTTCGCCCATAGAAAGCGC
TCAAAATTTCTCAGCCATCACAGTCGATTCCTTGCAAGCAAGCCGATAGGTAGTGTTC
CTCAATTCGCGGAAAACCTTTCCAAGTACTAACTGCTTTACATATACATACATTACTTTC
>EP07025 (+) Dm ADH adult E1P1; range -499 to 100.

TATGCTTGACATTACAAAGGTCAAAGCTCTTAATATTCTGGCTCGTGCCCTACACTGTA
AGAAATTACTATAGAAATAACGGTACACGGAATAAGATATTTTTTTTAGTCCATATGCTT
TTAACAATGTGTTTTGAGTTTATGTTATATTATTGTTAGAAAACCGTGTTTTTTTTTA
AATCGGTTAAAAAATTACTACGAGAGAAAAATACAAATTTTGTAATAAGATTGACTCTT
TTTCGATTTTGGAAATTTTTTCACTTATTTTATGTTTTTACGTTTTTCACTTATTTGTTCT
CAGTGCATTTCTGGTGTTCATTTTCTATTGGGCTCTTACCCCGCATTTGTTTGACAGA
TCATTGCTTGCGCATTTTTTATTGCAATTTTACATATTACACATTATTTGAACGCCGCTGC
TGCTGCATCCGTCGACGTCGACTGCACTCGCCCCACGAGAGAACAGTATTTAAGGAGCT
GCGAAGGTCCAAGTCACCGATTATTGTCTCAGTGCAGTTGTGAGTTGCAGTTGAGCAGAC
GGGCTAACGAGTACTTGCACTCTTCAAATTTACTTAATTGATCAAGTAAGTAGCAAAAAG
>EP14017 (-) Dse ADH adult E1P1; range -499 to 100.

CGAGCTCGGATCTTTATACACTTCTCCTTGCTATGCTTGACATTACAAAGGTCAAAGCTC
TTAGTATTCTGACTCGGGGTCCAACACTGTAAAAAATTACTCTAGAAAATAACGGTACACT
TAATATGATTTTATTTTACTCCATATGCCAAGTACGTATGTTTATGTTATATTATTGTTA
GGAAACCAATGTTTTTTTAAATCGTTTTAAAAAGTTGCTACTAGAAAAGCATAAACATTTT
TGGAATATTTTTGAATATTTTCAATCATTTTGTGTTTTTTCGTTTCACTTATTTATTTT
CAGTGCATTTCTGGTGTTCATTTTCTATTGGGCTCCTTACCCGGCATTTGTTTGACAGA
TCATTGCTTGCGCATTTTTTATTGCATTTTACATATTACAAATTATTTTTACGCCGCTGC
TGCTGCCGCCGTCGACGTCGACTGCACTCGCCCCACGGCAGAACAGTATTTAAGGAGCT
GCGAAGGTCCAAGTCGCCGATTATTGTCTCAGTGCAGTTGTGAGTTGCAGTTGAGCAGAC
CGGCTAACGAGTACTTGCACTCTTCAAATTTACTTAATTGATCAAGTAAGTAGCAAAAAG
>EP14018 (-) Ds ADH adult E1P1; range -499 to 100.

TCGGATCTTTCTACACTTCTCCTTGCTATGCTTGACATTACAAAGGTCAAAGCTCTTAGT
ATTCTGACTCGGGGTCCAACACTGTAAAAAATTACTCTAGAAAATAACGGTACACTTAAT
ATGATTTTATTTTAAATCCATATGCCAAATATGTTATGTATGTTTATGTTATATTATTGTT
AGGAAACCAATGTTTTTTTAAATCGGTTAAAAAGTTGCTACTAGAAAACATAAACATTT
TTGGAATATTTTTGAATATTTTCACTATTTTGTGTTTTTACGTTTTTACTATTTTTTCT
CAGTGCATTTCTGGTGTTCATTTTCTATTGGGCTCCTTACCCGCCATTTGTTTGCAAA
TCATTGCTTGCGCATTTTTTATTGCATTTTACATATTACAAATTATTTTTACGCCGCTGC
TGCTGCCGCCGTCGACGTCGACTGCACTCGCCCCACGACAGAACAGTATTTAAGGAGCT
GCGGAGGTCCAAGTCGCCGATTATTGTCTCAGTGCAGTTGTGAGTTGCAGTTGAGCAGAC
CGGCTAACGAGTACTTGCACTCTTCAAATTTACTTAATTGATCAAGTAAGTAGCAAAAAG
>EP14019 (-) Dma ADH adult E1P1; range -499 to 100.

AGCTCGGATCTTTCTACACTTCTCCTTGCTATGCTTGACATTACAAAGGTCAAAGCTCTT
AGTATTCTGACTCGGGGTCCAACACTGTAAAAAATTACTCAAGAAATAACGGTACCCAGA
ATATGATTTTATTTTAAATCCATATGCCAAATATGTATGTTTATGTTATATTATTGTTAGG
AAACCAATGTTTTTTTCAAATCGGTTAAAAAGTTGCTACTAGAAAAGCATAAACATTTT
TGGAATATTTTTGAATATTTTCACTAATTTTGTGTTTTTATCGTTTTTACTAATTTTTTTT
TCAGTGCATTTCTGGTGTTCATTTTCTATTGGGCTCCTTAACCGTCATTTGTTTGCAA
ATCACTTGCTTGCGCATTTTTTATTGAATTTTACATATTACAAATTATTTTTACGACGCTG
CTGTGCCGCCGTCGACGTCGACTGAACTCGCCCCACGACAGAACAGTATTTAAGGAGCT
GCGAAGGTCCAAGTCGCCGATTATTGTCTCAGTGCAGTTGTGAGTTGCAGTTGAGCAGAC
CGGCTAACGAGTACTTGCACTCTTCAAATTTACTTAAGTATCAAGTAAGTAGCAAAAAG
>EP14020 (-) Do ADH adult E1P1; range -499 to 100.

TCTACACTTCTTGCGCGCTATGCTTGACATTACAAAGGTCAAGCTCTTAGCGTTCTGA
CTCGGGGTGCTACACTGCACAAAATTACATTATGCATTCTTCAAATATCCCTAATATACC
AAATATGTATTAATAAGTGATCATTTACCGATCGTTCAAGAGACGGTATAGGCTTACAAA
AAAATTGCCAAAGTAATTTACAAATTCATAATGGTTTTTTCAAGTATATAATATGTACAT
CAATATTTTCTTACATGATTTTATGGGATGATTATGTTTTAACTACACTCAATTTTTT
CTCAGTGCATTTCTGGTGTTCATTTTCTATTGGGTCCTTACCCGGCGTTTGTGTCAG
ATCACTTGCTTGCTATTATTATAGCATTTTACACATTACAAAATTTCTGGACGTCGCTGC
TGCAGCCGCTGTCGACGTCAACTGCACTCGCCCCACGACAAAACGGTATTTAAGGCGCT
GTGCAAGTCCAGTCGCCGATTATTGTCTCAGTGCAGTTGTGAGTTGCAGTTGAGCAGAC
CGGCTAGCAGTACTTGCACTCTTCAAATTTACCTAATTGATCAAGTAAGTGGGAAAAGG

>EP07024 (+) Dm ADH larva E2P2; range -499 to 100.

TTCAATCAGAACTAATTCAAGCTGTACAAAGTAGTGCGAACTCAATTAATTGGCATCGAA
TAAAAATTTGGAGGCTGTTCGCGATATTCTCTTGGAATAACCTGTTAGTTAACTTC
TAAAAATAGGAATTTTAACATAAATCGTCCCTGTTAATCGGCGCCGTGCCTTCGTTAGCT
ATCTCAAAAGCGAGCGGTGCAGACGAGCAGTAATTTTCCAAGCATCAGGCATATAATAT
ACTAATACTAATACTAATACTAATAAGAATACTAATATAGAAAAAGCTTTGCCGGTAC
AAAATCCCAAACAAAAACAAACCGTGTGTGCCGAAAAATAAAAAATAAACCATAACTAGG
CAGCGCTGCCGTGCCGGCTGAGCAGCCTGCGTACATAGCCGAGATCGCGTAACGGTAGA
TAATGAAAAGCTCTACGTAACCGAAGCTTCTGCTGTACGGATCTTCTATAAATACGGGG
CCGACACGAAGCTGGAACCAACAACTAACGGAGCCCTCTTCCAATTGAAACAGATCGAAA
GAGCCTGCTAAAGCAAAAAAGAGTCACCATGTCGTTTACTTTGACCAACAAGAACGTGA

>EP14021 (-) Dse ADH larva E2P2; range -499 to 100.

AATTTATTCAATCAAAATTAATTTAAAGTGTACGAGTAGTGTGAACCTCAATTAATTGGC
ATCTAATTAATAATTTGGAGGCTGTGCCGAATATTCGTCTTGGAATAACCTGTTAGTT
AACTTCTAAAAATAGGAATTTTAACATAACCCGCCCTGTTAATCGGCGCCGTGCCTTCG
TTAGCTATCTCAAAAGCGAGCGGTGCAGACGAGCAGTAATTTTCCAAGCATCAGGCATA
GTTGGGCATAAATTATAACATAACAAACCGAATACTAATATAGAAAAAGCTTTGCCGGTA
CAAAATCCCAAACAAAAACAAACCGTGTGTGCCGAAAAATAAAAAATAAACCATAACTAG
GCAGCGTGCCGTGCCGGCTGAGCAGCCTGCGTACATAGCCGAGATCGCGTAACGGTAGA
TAATGAAAAGCTCTACGTAACCGAAGCTTCTGCGGTACGGATCTTCTATAAATACGGGG
CCGACACGAAGCTGGAACCAACAACTAACGGAGCCCTCTTCCATTGAAACAGATCGAAA
GAGCCTGCTAAAGCAAAAAAGAGTCACCATGGCGTTTACTTTGACCAACAAGAACGTGA

>EP14022 (-) Ds ADH larva E2P2; range -499 to 100.

ATTTATTCAATCAAAATTAATTTCAAAGTGTACAAATAGTGTGAACCTCAATTAATTGGCA
TCTAATTAGAATTTGGAGGCTGTGTGCAATATTCGTCTTGGAATAACCTGTTAGTTA
ACTTCTAAAAATAGGAATTTTAACATAACCCGCCCTGTTAATCGGCGCCGTGCCTTCGT
TAGCTATCTCAAAAGCGAGCGGTGCAGACGAGCAGTAATTTTCCAAGCATCAGGCATAG
TTGGGCATAAATTATAACATACAAACCGAATACTAATATAGAAAAAGCTTTGCCGGTAC
AAAATCCCAAACAAAAACAAACCGTGTGTGCCGAAAAATAAAAAATAAACCATAACTAGG
CAGCGCTGCCGTGCCGGCTGAGCAGCCCGGTACATAGCCGAGATCGCGTAACGGTAGA
TAATGAAAAGCTCTACGTAACCGAAGCTTCTGCGGTACGGATCTTCTATAAATACGGGG
CCGACACGAAGCTGGAACCAACAACTAACGGAGCCCTCTTCCATTGAAACAGATCGAAA
GAGCCTGCTTAAGCAAAAAAGAGTCACCATGGCGTTTACTTTGACCAACAAGAACGTGA

>EP14023 (-) Dma ADH larva E2P2; range -499 to 100.

ATCAATCATTAATTTAAAGTGTACGAGTAGTGTAACCTCAATTAATTGGCATCTAATTA
AAATTTGGAGGCTGTGCCGAGAATATTCGTCTTGAAAAATCACCTGTTAGTTAACTTCTA
AAAATAGGAATTTTAACATAACCCGCCCTGTGTTAATCGGCGCCATGCCTTCGTTAGCTAT
CTCAAAAGCGAGCGGTGCAGACGAGCAGTAATTTTCCAAGCATCAGGCATCAGGCATAG
TTGGGCATAAATTATAACATACAAACCGAATACTAATATAGAAAAAGCTTTGCCGGTAC
AAAATCCCAAACAAAAACAAACCGTGTGTGCCGAAAAATAAAAAATAAACCATAACTAGG
CAGCGCTGCCGTGCCGGCTGAGCAGCCTGCGTACATAGCCGAGATCGCGTAACGGTAGA
TAATGAAAAGCTCTACGTAACCGAAGCTTCTGCGGTACGGATCTTCTATAAATACGGGG
CCGACACGAAGCTGGAACCAACAACTAACGGAGCCCTCTTCCATTGAAACAGATCGAAA
GAGCCTGCTAAAGCAAAAAAGAGTCACCATGGCGTTTACTTTGACCAACAAGAACGTGA

>EP14024 (-) Do ADH larva E2P2; range -499 to 100.

TGCAATCGAAATGAATGCAACCCGGCACAAGCAGTAGCAAACTAGTAAACAAATAAAA
TTTGGAGGCTGTGCCGTGGCGAATATTTGACTTGAAAAATCACCTGTTGTTAAACCGCT
AAAAATAGGAATTTTAACATTAAGCACCCCTGTTAATCGGCGCCGTGCCTTCGTTAGCTA
TCTCAAAAGCGCGCGGTGCAGACGAGCAGTAATTTTCCAAGCATCAGGCATAGTTGGGC
ATAAATTATAAAACATACAAACTGAATACTAATATAGAAAAAGCTTTGCCGGCACAAAAATC
CCAAACAAAAACAAAGAGAGTGCCAAAAATAAAACAAAAATAAACCGTAAACCGAGCAGC
GTTGCCGTGTTGCGGGCTGTGAAGCTTACGTGAATAGCCGAGAGATCGCGTAATGATAG
ATAAAGAAAGCTCTACGTAAGCGAAGCTTCTGGGGGATAGATCTTCTATAAATACGGGA
CCGACGCGAAGCTGGAACGAACAACTAACGGAGCCCTCTTCCATTGAAACAGATCGAAA
GAGCCTGCTAAAGCAATATGGCATTACCTTGACCAACAAGAACGTCAATTTTCGTGGCCG

>EP11036 (+) Dmu ADH-1 (larval); range -499 to 100.

GTTTTTTCTTTCCAAGTTTTACAGTTAGAACCCAAAAATCTGAACCTGATTGTACATGTAT
CTGGCTTGCTAATTAATAGGATAGTTAAATTAATAATTTGTTTCATTTGATTTTCCCTT
TCGAATGAGTATTTTAGAGTCGTAACGCCCGAGATAGTTGTTTTATTATAAATAAATGGC
CTCACTGAAGCAGAGCATCTACACGGCGTATCTGCGTAGAATTTAATTTAAGATTTGTAC
ACGTAATCGTACGCGACGCCAGCGAACAGACGAAGACAAAGTAAAACGAACAAATAGTCA
TCCTGAGTCGAAGTAAAACATATGGAATACGAGAAACCGGCATGAGTTGCGTAGAATTTG
AAAACAAAAACACCGAAAAATCTACTCGAACTGGCGGCAAAATGCGACGTGACGACCGCG
CGGCCAGTGGTATTGATAAGACATGTGCGGTGGGCAGCGTGGCCGTGTAGCTATAAATAC
TGGGCACATGGCTCAGCAGACTCATACGGCAATCAGTTTTCTGCTGAGCAGGTCACAAAA

AAAAGTCCAAGAAAATGGCCATCGCTAACAAAGAACATCATCTTCGTCGCTGGACTCGGTG
>EP23018 (-) Dmo ADH-1 (larval); range -499 to 100.

TGTGTATGTATGTATGTGTGCATGAAAAGAAGTGCAGATGGATTAGCTTGATGGATCAG
GGTATTCTCCTAGTCGAGCAGTCTCGACTTATTTGCATTGTTTTGTGCTTTTGAATGAG
TATTTTGCAGTCGATAAAGCCCGCATGTTTTGTTTTATTATAAAATAAATTGCTTCACTGG
CGTATCTGCCTAGAATTTAATTTAAATTTGTAGACGAAATCGCTACGCGACACCAGCGA
ACAGACGAAGACAACATAAAACAAACAAATAGTCATCCTGAGTCGAAGTAAACATATGG
AATACGTGAAACCGGCATGAGTTGCGTAGAATTTGCGAAAAAACCAACAGAAACGAAT
CAAAACAAAACGCCGAAAATCTACTCGAAATGGCGGCAAGTGGACGTGGCGCCGACT
GCGGCCTTCGTTATTGATAAGCCATGTGCTGCGTGGGCAAGTGGCCGTGTGGCTATAAATA
TGGGCACATGGCTTACCAGCCTCATACGGCAATCAGTTTTCATCTGAGCAGGTACAAAA
AAAAGTCTAAGAAAATGGCCATCGCTAACAAAGAAATATCATCTTCGTCGCTGGACTCGGTG
>EP11037 (-) Dmu ADH-2 (adult); range -499 to 100.

ATGGAAGAAAATATATCTACTTTAATAAAACAGTCGGACGAATTTCAATATACAGTAA
TATGGATCATAGGGTATGACACAGTTGAGAACACCTCAATTCTAGCTCTAGTTGTATTAT
AAATAAATTAGTTTCAGGGAGGTGGCGCATGATGTGTACTCTGCGTAGCTGCGTAGAATGT
AGAATTTAATTTCTACACATAAACGCAACACGCGAAGACACGAGCGTTTAGAAAAAGAC
AAATAAAACCAAAAAATGATCATTTCCGAGTCTAAATAAAGCACACGGAATACGTAAAAAC
GGCATGATTTGCTTTGACTTTGGAGAACATAAAACCAAAACAGCAACGAATCAAAACAAAA
CACCAGCAGCTCTGCCGAGCTGGCGTCTAAGTCGACGCAACGTGAGCTTCGCGTCAGCT
TATTGATAAGCCAACCTGAGAGATTTGCTTGCAATATGACCGGCAGTGCAGTTATAAATAC
TGGGCACTGAGTACTCGGACTTATTCGCAATTCACTTTTGCTTGAACAGGTGAACAAG
CTAGAGAGCAGCTCCATTGAAATGGTTATCGCTAACAAAGAACATCATCTTCGTCGCTGGA
>EP23019 (-) Dmo ADH-2 (adult); range -499 to 100.

TTCAATTAAAAAAGTTTGACAATTGCATTATCATGTAATTTAGATAACAGGGTATAGCAC
AGTTGAGAATATCTCATTTCTAATTCTAGTTGTATTATAAATAAACTAGTTTCAGGGAGGC
GGCGCATGATGTGTACTCTGCGTACGTGCGTAGTATGTAGAATTTAATTTAAGATTTCTA
CACATAAACGCAAAACACGCGAAGACACGAGCGTTTAGACAAAGGCAAAATAAAACCAAAA
AATGCTCCGAGTCTAAATAAAGCACATGGAATACGTAAACCGGCATGATTTGCTTTGAC
TTTGGAGAAAAAAGAACCAAAAAGCAACGAATCAAAACAAAACGCCAACAGCTCTGCCCG
AGCTGGCGTCTAAGTCGACGCCAACGTGAGCTTCGCGGTGAGCGTTATTGATAAGCCAAC
TGAGAGATTTGCTTGCAATACGACCGGCAGGCATGGCACTGCAGTGCAGTTATAAATAC
TGGGCACTGGGCTTGCTGGACGTATTCGCAATTCACTTTTGCTTGAACATGGTGAACAG
CTAGAGAGCAGCTCCATAGAAATGCAATCGCTAACAAAGAACATCATATTCGTCGCTGGA
>EP15012 (+) Dm a'-amylase; range -499 to 100.

CCAGAGATCAAGTGCCGCGCAGTCAAGGCCAGAAGTCACGTATTCAGAGAACGGCGCAG
CCAAAGCTTCAAACCAAAATCGCTTGCTACCTTTATTTTCAACATTTTAGGCGATATTG
CATGATTTCAATGCTTTCAAATACGCTAAAAAATCAAATAACAATTCACAGTAAACCCG
CTCCTAGGAGCGTGAACGTAATAAATAGTCAATAAATCCCAACTGAAACCGATTTCAAA
GGAATGCATTTTCCGATGAGTTATTGATACAAATATAACGAAAATAAGCCGACTACTA
ATCATCAGCGAAAAATTGCGATCTCCAGTCTGCTCGAAATTCCTGATTAGACAACTAATC
GCCAGTCAGACCCCATGCGTGAAAAAACCCCTTAGGGAGCGATAAGATCCCATGCAGTCA
CAATCACTCCCGCGAAGCCCTCAGATAAAGTAGCAGTGGGGTCCACTATATAAGGAGC
GGCTCTGAGTAGTTCCGACCAGAGTGAAACTGAACTTCCATCTGGAATTACCATGTTTCT
GGCCAAGAGCATAGTGTGCTCGCCCTCCTGGCGGTGGCTAACGCCCAATTTCGACACCAA
>EP11035 (+) Dm DDC; range -499 to 100.

CGTGATTTTTTCTTCGGGGAGTCCAAGAAAAACCTGTTTCGAGTGACTCATAATTGGGG
GATTCCTGACGAGATCGCTCTCTTTCCACAAATTCGAGTTGGGAAGCACGTGAGTAGAAT
TCAAAATGTTTTGCTTGCTGTTTTAAATATCACTAGGTTCTCAAATAATTTCAAAAAATA
ATCAAAATTAAGTTACAGAGTGGCAAAATAAATGTAATAGCTTGCATGTATGTATATAT
ATATATTTTTTTAAATTCTAAATAAATCCATGGAAAATAAAGCCTTTGATATCCAGTTAC
TGATTACGCGCCAATTAATGCATGTTCCAAAAAAGTGTCAAAAAACGTGCACAAATCAA
ACGAGAGCTGAATTTGTTTTTACGACAGCGGCTGCGATTGGAAGTTCAGCGGCTGCGGAC
TGCGATTGAACCGGTCTGCGGAATTGGCAGCGCTGCTGGACGGGCTTTAAAGCCATGG
CCAAGAGCGGGCAGCGCTCAGTTAAGAGGAGAACGCCAAGCGCACAGCAATCAGCACCGA
AATATCAGCATCGAAATATCAGCAAATAAATATTAGCTGTTCTAAACCAGGAGGGCAAAAC
>EP15013 (+) Ppy luciferase; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NNNNNNNNCTGCAGAAATAACTAGGTAAGCCGTTTGTGAAAAGTGCCAAACCCATA
AATTTGGCAATTACAATAAAGAAGCTAAATTTGTGGTCAAACTCACAAACATTTTTATTA
TATACATTTTAGTAGCTGATGCTTATAAAAGCAATATTTAAATCGTAAACAACAAATAAA
ATAAAATTTAAACGATGTGATTAAGAGCCAAAGGTCTCTAGAAAAAGGTATTTAAGCAA

CGGAATTCCTTTGTGTTACATTCTTGAATGTCGCTCGCAGTGACATTAGCATTCCGGTAC
TGTTGGTAAATGGAAGACGCCAAAAACATAAAGAAAGGCCCGCGCCATTCTATCCTCT
>EP65006 (+) Dm STEL A; range -499 to 100.

TGTTGTTGTAATCAATACGAAAAATCAAGAACATATTCAATTCAAGTTTTCTTTAATTTTA
ATTAATTTTTTTCTAAGAAAAATAAATAAAAAACGAAAAATTCAAATAAAAAATTATAAAAA
ATAAACCGAGTTGTGTTTTATTTAAATAGTTAAGTGGTAATATACTGAATGGTAAGTTT
ATTAATTAATTTAAGTGTAAAAAATTACTGAATTTATAGGATTTTGATTTGGATACTAT
TTATAAAATCATATAAAAGGGCATCGAGTCCTCAGCCGATGCTGCCTTGTGAAACAATG
ACATTTGATTTGTTTTTGGCCCAACTGACACATAAAATATCGTATGCATAACATATTATG
AAATAAAAGAACTAATACTTATTATGCCAGCCGAACATAAAACGAATTTTCGAGTCTAGA
GTTCCCATCTGGAAGGGCAGGCCCTTTTAGCACGTGTCAAAAACTCAAAGAAGAAGACGAT
GACTTTGAAGTCTACAAGTCATATTTCTGTGATCAAGTGAAGTGGCAACATGTCGAGCTC
GTAAGTAAGTAGGTTTTCTATAGAAATTATAGCAAGTCACAGTAAATCTTGTAGCCA
>EP66003 (+) Dm STEL B; range -499 to 100.

TTGTTGTTGTAATCAATACGAAAAATCAAGAACATATTCAATTCAGTTTTCTTTAATTTT
AATTAATTTTTTTCTAAGAAAAATAAATAAAAAACGAAAAATTCAAATAAAAAATTATAAAA
ATAAACCGAGTTGTGTTTTATTTAAATAGTTAAGTGGTAATATACTGAATGGTAAGTTT
ATTAATTAATTTAAGTGTAAAAAATTACTGAATTTATAGGATTTTGATTTGGATACTAT
TTATAAAATCATATAAAAGGGCATCGAGTCCTCAGCCGATGCTGCCTTGTGAAACAATG
ACATTTGATTTGTTTTTGGCCCAACTGACACATAAAATATCGTATGCATAACATATTATG
AAATAAAAGAACTAATACTTATTATGCCAGCCGAACATAAAACGAATTTTCGAGTCTAGA
GTTCCCATCTGGAAGGGCAGGCCCTTTAGCACGTGTCAAAAACTCAAAGAAGAAGACGAT
GACTTTGAAGTCTACAAGTCATATTTCTGTGATCAAGTGAAGTGGCAACATGTCGAGCTC
GTAAGTAAGTAGGTTTTCTATAGAAATTATAGCAAGTCACAGTAAATCTTGTAGCCA
>EP23034 (+) Dm mst a; range -499 to 100.

TAGTAAAAACATATTTTGTATAATTAACACGGTATTTTCCTTAATCGACCAGCAATTCAA
AGAAACCAACACTTTTTCTCGCTTTTATATTGTTGAAAACCATGTTAAATTGATTGTCTAA
GAATTTGATATTTACATATATTATTTCAATAAATACTCGACTATGGCATTTTTCTTTGTA
TATTTGTTTGAAGTGCCTAAGTCTTAAATTTGTTAGCCTCGACTAAAGCACCCGATGCCA
AGAAGAATCTTATAAAAAAACCGAAGATATCCGTCCGGAGGCCAGAAAAATGTATATAT
CTTAATATCTAGAATACTACAGGACTAAATGTATATTCAACGAATATTTATATATTTTG
ATGATGTTTTTTTTTTTTTGAATTTGCAATACTACAAGATCATATTTATAAATATCAA
GCAGAACGAAACAAGAGCCGTTGCAAAAGCGCTTATGTAAACATGAAATTCGTATATATAA
GGAATGCAATAATACCTTACTTTCAGTGAAGCCACTTCTTCGAAATGAACCAAGATTTTAT
TATGCTCTCCAATTTTACGTAAGTTGACTTATGCATTTTGTAGCACATTTAAGAACGAGT
>EP23035 (+) Dm mst b; range -499 to 100.

AAGAAATAGAGGCCAGAAAAACGGATATTATCAAAGTACGACAGTTAAACCTCGATTTAG
AGCTCGAGCTAAATACTGTGAACCGCAGACTTTTGAATTGAATGGGCAACTGCAAAACA
CTCGAAAGTCCACAAGCCGTGTAAGAAACGTTCTAGTAAGGATAGCGCCCCACCTGCCG
CCAATCAGTTTCAGGAAGCCAACGTGAGGAACACTTACCGTAACAAATATCTAACACTTC
TGAAAGAAGTCTAGTCAGAAGATCAATAACGAAATCGCGAAAGTCGCTACCGATGTACCCA
CGGAGACAAATCCTTCCCAAGGGAATCTACCAACACTTTAATAGTTAAATCATATGGTT
TCCCATCATTTAAGAACAGAAACAATAGTATTGAGTCATTGCAAGACCTTCTAATTGCGC
ACTTACTTATTTTTCTGATCTTGTTAGCCGTAATAAATGCGATTCTAACGCTTAGGCCA
AGTGCTGGTTGGATTCTTTACAGTCTAGAGAATACGTTTCCACAATGAAGTACTTCGCGG
TGATCTGCATTTTCTGTAAGTTGTAAGGATCTTCGAGGTTCTTAGAGTTTGCTAATTT
>EP46003 (+) Dm FMRamide gene; range -499 to 100.

AGGATGTCCTGCTCATCCACAGTCGACTTAAAAGTGGGCGTAACATAACAATTGTGGG
CGATTTGCATACAATTTGGTGCTCGAGTGGCCACCTAACTGGCGTCGAAATGTTGCTACG
TCATTGTTGCTGCCCTCGTCTTCTTGGCTAATAAGTCAGCATGAATGCGGTCTGTGTT
TTGGCCTTTTGTCCCGCTGACAACCGCTGACAAGCAAAACAAACATATCAGCGGCTGACC
AGCGACCATTTGCCGACATTGTCAAGGTTTTTTTTTTCAGCCCCGAATACACCTGCTAATC
TGTGGTGGTGACTAGCGCGCTCGGAAGGCAGAAAAAACTGCAGCGAAATCAGTTCCATT
GAATGTCCTCTGGCAACATGTTGCCGACGACTTGTTCGCGCGTCCACTCGCAGAGGCA
CCTCAACATCAGCCTCCTTGGGCGCCAGCACAAAGGACGCAACGCATATAAAACAGGATG
TTTCGCCAAACATCCTCACAGAACTGTTCCACCTTCGAGCGGGCAACAAGTGTGTGTGCG
GCCCAAAAGGATCCCCAGACCTTCGAATTCAGTTCCTAGTAAGGGGACAGGTTT
>EP24020 (+) Dm calmodulin; range -499 to 100.

ACATTTTGAAGTATATTTTGTCAATTAATAATTTGAAGTAAAAATCGAAGAACTGTTTA
CATAAACATAAATCACAACCGGTAATTAGAATAAACGGACAATAAAAAAGACATTTGTTT
ATATAGATGTACATATGTGAGTACATACATAGTTGATTCAATTTTTTTCTATTACTGCAAG
GGCAAACCTATGCATAAGTTTATTTTGCAGAAGCTAGCTTCCTATTATTTATACTTTA
GTTACCTGTAGTATGTTGATACAATTTTGTACACACCTATTTTCGCGAAAAGCGCCGGC
GCGACCGTTACAACGGCGAAATCAAACCTTATTTTCGCTTTACGAAGGTGAGTGGATAAGC
AACAGAAACAAACACATGCAGACGCTGCCGCTGCAAAAGCGAACTTACCCGGTTCTGTTCT

CGCGAGAGCGAGAGCGGTTATTGCTATTGCTGCTGGCAAAATAAAACCGTATATATGGCG
ACGCAGCGCTATTTTGAACACAAAGTTTTGAGTCGTCGACCGTTGCGGACGGAATTGAG
ATTAGGATCGTGAGTTGTGAGAACAAACAGACCAGACATTGCATATAGAGAGCAGTATTG
>EP15017 (+) Dm[hb] 2.9 kb; range -499 to 100.

CGGAAAATTGTTGTGAGGAAAATGTTTTCAAATGGGTGTGTAATAATTATACTGCACAT
ATTATGCATATAGTTTAGTTGGTCTTAGAGTTTTCCCGCAGGTGTAAGCAGTTCTGATC
CGTTAATTTAGTTAAGTCCCGCAATCCTTTTTACTTTTTATTATTAACACGAACTGCC
CACGCTAGCTGCCTACTCCTGCTGCTGACTCCTGACCAACGTAATCCCATAGAAAACCG
GTGGAATAATTCGAGCTCGCTGCTAAGCTGGCCATCCGCTAAGCTCCCGATCATCCAAA
TCCAAGTGCGCATAATTTTTGTTTTCTGCTCTAATCCAGAATGGATCAAGAGCGCAATCC
TCAATCCGCGATCCGTGATCCTCGATTCCCGACCGATCCGCGACCTGTACCTGACTTCCC
GTCACCTCTGCCCATCTAATCCCTTGACGCGTGCATCCGTCTACCTGAGCGATATATAAA
CTAATGCCTGTTGCAATTGTTTCAGTCAGTCACGAGTTTGTACCCTGCGACAACACAAC
AGAAGCAGCACCAATAATATACTTGCAAATCCTTACGAAAATCCCGACAAATTTGGAATA
>EP11040 (+) Dm[ftz]; range -499 to 100.

AGGGCATCGGGTTCCGGGAACAACCTGGCAGCCAGTCTTCGGTGTGTTTTGCGCGCTGGCAAA
AATCCAGAGAAAATTTTAGGGAACCATAAACGGGCCGGGAAAAAGCCTCTGCCCGAAG
GAACGTTTTTCAGCAACAGTTTACAGTTTTTATGTCTTTATGATTATTGCAATTAGAGGGA
GATCGGCTGAGAGTCGCGCCCTCTCGCTCTGCGCACCTCATAGGTAGGCACCTCATGGCC
GTAATTACTGCAGCACCGTCTCAAGGTCGCGAGTAGGAGAAGCGCGCGGGCGGATAAAT
CGCGATGATAATGGGCGCGATGGGTAGGTAATAAGCCGCGCAGCAGGTAGGCACCGTACG
GATAAAGTTGCCAGGACCTCGGATAACTTCCCCTCTCCGTGCCTGCAAGGACATTTGCC
GGAGGGGTGGTGCGAACAGCAGGCGGCAAAGTGTATGCGCAGGGATATTTATGCGCTA
TAACGGCGAGCGTGTGCCGAGGGCTCTCTGATTTTGCTATATATGCAGGATCTGCCGCG
GACCAGCTCATTCGAAACTACCGAGCTTGCCTGCACATCGCAGAGTTAGAGAAGAAAT
>EP15016 (+) Dm[eve]; range -499 to 100.

CACTCTCTGCCGGCAAACACACACCACCCGACCCGACTGAGCGGCATAATGCCATATCAT
TCTTGATGAAGCCGATAAAATCCCATTATTAAGGGGGCCCGCCGCTCCCGCTCGCTCCTG
CGGAGCAACCGCTGCGGGCGGGCGAGACAAAAGATTGCTCATCCGTATGAATACCAA
ATCGGAACCTCTCTCTCTCCAGCTCGGGAGTGCCATGGCCAGCATGGCCAGGACCTCCT
CATGGTCTGCCGAGCAGAGAACGCGGCTCCATCCCGTGTCTCCGGTCTGCTCCTCCG
CTTTGTCCCCTCGTTATCGCCGCTCAGCACCGAGAGCACAGCAGCGCATCCACTCTCA
GCACCGCAGCATTAGCACCGTTCGCTCAGGCTGTCCCGCTCGCACCTGCCTGGGTGCTG
GCGATTGGCCGCTCCAGCGAGCGGCGGCCATTTGCTGCGAGAGCGAGCGGTATAAAAGG
GCGCGGGGTGGTGAGAGCAGCACACTCGAGCTGTGACCGCCGACAGTCAACAACCTAAC
TGCCTTCTGTTAATATCCTCTGAATAAGCCAACTTTGAATCACAAGACGCATACCAAACAT
>EP23030 (+) Dm[Krueppel]; range -499 to 100.

GTCCATATTTGACTCTAAGTACTATATATCTTTGATTGAAAGGAACCTCTAGCTGTC
TCATTCGCACCAATTTGCATATGAAAAATTAGCACTTTTAGGTATAAAAAGGAATCGATG
AAATCAACTCACTCAACTCAGCGAAGTACCGAGTTTTTACTTTACCTGCTCAGGCTTGGG
GATCGTTTTTCGCTTTCCGCGTGATGATTTCCCTTCTGCTGCACCTTATTTGCGTGC
GTGTGAGCGGGAGAGCCAATTGAGTCCCGCGTGTGTGCGTACGAGGGTGAGTGAGAATC
TTTCGCCGAGACAGAGCGTACTTATAGTTAGCTCACGCAGCGAATTTGTATCAGTCGTGA
TTTGGCTCTGTGAGCGAAAGGAACAACCATTTGTTGTGCCACACACAACCGCGAGTAATA
TAATCGAATCAAATTTCAACTACCTCATTTTGCTAAATCGGTAAACTTTTATAAAAGACA
ATTTTTGTGAAATCTCTTACCTCAAAGTACAAAAGTGTGTACAAAATTTATTCATATCC
CTGAAAGTGACAAATTTGCTCAAATGAAATTTTGTGTCTAAAAAACTGAAGCTCCAAAA
>EP24009 (+) Dm[engrailed]; range -499 to 100.

TATATGACCCCACTCGGTAACGCCCGTGAGAGAGGGAGAGCTTGCGCCTGCGCAGTTT
GCTGGGGACACAGTTGTCAACCGGTGACAGCTCCAGCATGCGCATAATAAAGTCATATT
GCTGCCTAACAAAGCCCCCTCGCCAAATTGGCAAGAGAGAGTGAGAGCGAGAGGGAGCGA
GCGAGAGAGCGCTCTGGCCAGCTAATAGGAGTGAGTGAGCCGGCGAAACCGGTTGCGATG
GGGCGAGTGACAAGGCTAAGAGAGAGCGAAAATCGATCAGTGTAAGGCCGAAAAGACACA
TCTTCTACTCTCATCTCTTATGTCACTGTCAACCACTGCTGTCACTCACTCACTCGCTC
GCTCGCACACACTTCGCCAGTACTTGTGGGATCTCGCCCTCTGCTCCCGCACTCGGAC
CTCTCTTTCCACCGTGACAGTTCAATCGGCTCTCGCGTTAACTCTCCCGACGTGCGCGC
TGCGATTCCGAAGTAGTCAACTAATTCAGTCGTTGCGCTCGATGTGAACAGAGCTGCGTG
TCGGAACAACAGTTGCAAATCAAACACGAAAGCATAAGCCAAACAAAAACACCAAACAG
>EP70002 (+) Dm hedgehog; range -499 to 100.

AGGAGTTGCAGGGCCAGAAGCGGCTAACAAAGCCACAAGACTCGAGTCGAGTCGAGTCCGA
GTAGTGCAAGTGTTAAGAGAAATTGCAGTTGCAGTCGAGGATGCTGCAGCTCTTCTGCGC
CAGCAACGCACACTATCACACATCCAATTGGCAACAGGCACACACTTTTCATCCATGGCCA
TAATGGACCGCAGCACACTATGCCAATGCCATCCAACATCTGTTGCCAACATTGCTTGTA
CATAAGAGCCGAAGACTCAGGCACTAACACATGCAAACCAAGTCTTGTGAGTATGCTGCAT
CATCTGTTGTCCCGCTTCCACTTCCCTTGCGCATAAGGCAGCATAAAAAATGAACACCAC

AGCCGATCGAACGTCGAGTGGCATAACGATACAATCACAACGCGGAATGAACTCGAGGCG
ATAGTGTGTGTGTGCGTGTGTGTTTGTGTGAGCTAAAAGCCTAGGGTTCTTGAAAGCAC
CCTCGTCTGACTCGTACTTATACTCGCATTCTGATTCTGCTGCCGTAAGTCTGACTCGACT
CGAACACTCTGCGCGACGATACTCCGCTCGGAAATGTCATTTGTCAATCACAGTGCAG
>EP11038 (+) Dm[antp] E1P1; range -499 to 100.

AGTGAAATCAAAATATACCAACCAAAATAAACTGGGAACTGAATAATCGAAAATAACTGG
ATGTGCATCATAAGATCTTCTTTTGAAGACTGACTACAGTTTGCAGCTCAGCGAGCTCGG
GCCGGCAACTCAAGCCGGTCAACTCAAGTCAGGCGCCAATTCGCTGCTCCCACTCGCTCA
GCTCTCTCAGTCACTCAAAATGGCAACGAGAGCAGAACGGTTCTTTTGCAAATACTTTA
TGACCGGAGCAGAAGCAGAATCGGACCTCTGTCGCGGTGCGAGTCTGCTGCCAGTGTGAC
GGCGCTGTTGCGGCCGACGCTGACGCACATAAAATAAAACGCTCTCTTTGCTCACGAGTT
TCTTATAAGACTTTATTTATATACTGCGCTGCCACCGCTGACTGCGCGCCGCCGCCGCCG
ACTGCGCTGGATTAATAAGGAGTTCTCGCTGGGATTTTCACATGTATATGCTTTGAATTG
AATGCTTTATGGGTTTAGTTTGATAGGAGTCGTAAGAAATCAACATCACACAACAAAGC
ACTCGAGGACCCGTCCTGTTCCGTTGACTTAGCCACGTGCGACTGTATGTGTGTGTGT
>EP11039 (+) Dm[antp] E2P2; range -499 to 100.

TTGAAAAAAAAGATAGGTGGGACCATATTGATATGCACATAAAAACTAATCCATAATCTG
TTACATAACGTCATTTAATATGAGCAAAACAACAAATTTACTTTTAAATGCATTGATCGT
TCTAACATTAACCTTGATAATTACAAAAGTTTTAGAATGGCCTAAACATTGTACTGAGAA
AACGTCTAAGTGGATAATAAATTTTGCAGTTAGCTAGCTTAAATCACGTTTCAAGTGA
GCAAAACCACACGATTCTCCGAAAAGCGCTAAAAAATACTTAACGAGCCACTAGTTAC
CTATCCAGCACTGTTTGCCTTCTCCAGCCGGCAGAGTGTGTGTGTGTTGCACAAAAAC
AATGCCGCCATTTATCATTTTCTATGGTGGCCGTGTTGCTGCTCTTGATGTTGCTCC
GCAGCAGCAACATGTTGCCGGCGGCAGCCATTGGCAACATGCGATGTTTACGAGCCTGGC
TCATTGTGATATACTGGCGTTCAAGTTGTGAATGAATGGACGTGCCAAATAGACGTGCCGC
CGCCGCTCGATTTCGCACTTTGCTTTTCGGTTTTGCGCTGTTTCACGCGTTTAGTCCGTT
>EP23029 (+) Dm[labial]; range -499 to 100.

TTCAAAACATTTTAAGTAAGATCTAGAACAAGTTTCTTTAAATGCTTAATGTTCTTAGG
TGGACCGACGATCTATATAAGTGTTCCTTAATAAGGATCATTTTAGAGATCTGATCA
TCCCCAGCCAGTTCCACACAGCTCATTGCATAATTTCAAGTTCCTTCATAGAACTCCCA
TCTTGAGTAGCCGTCATCCGCTCCTGCCATGGCGACTAGCAAAAAAAAAACGAGCAAAAC
AGGGAACGAGAAAAATCTAAATGGAAACGGCAACTGCCAAAAACCGGTAGTTGAAATACGG
GTATTTGTATATACGTATGACTAACCCCGAACCACTGATAAGGGCAGTCATCCGAAGAA
TCCAGGGAGCGAGCGAGAGCGCAGTCGCAACACGTATGTAGCACACAGAGAGGAAGCG
GGACCACAGGCACTCTGCAGAGGGGCGTGGCCAAGACCAGCGGTTGTGCGGTCTGAAAGA
AACCGGGTTCGGGCCAGTAATCAGTCACGACTTGGTAAGCGCGCAGGCAGCACGTCTGCG
TCGTCATCGCCAACGGGAGTCGTGTTTTTCGGTTCGATACAGATAAAACCCACGTCGATA
>EP15014 (+) Dm[Deformed]; range -499 to 100.

AGTAAATAAGCTTATTTTCGTAATAAATAAAGACGTTACTAAAATATAAAAAAAT
ATATACACTGTACAGTAAAGTAAATTTATTTTAAAGTTTAAATTAATGGCTTTTTAT
TTTTTTTTTTAAGAATACTTCTTTGAAGTGTCAATATTGTATGCCTTGACTGTTTAC
GCAACTCAAAATGGGTGTGACCAAGATCTGGCCATCCCGCTTTAACCACAATGCTCCCT
CTCAGTCGCGCTTGCGAGAGAACTATGGTCAGTGGTGGAAAATGGCGTACGAGGCGAAGG
GTGAGAAAAGGTGAACAGACATGGCTGCTACATATGAATGGCTTTATTTGTGCGCGTGTG
TGGGCCGTCTTCGATTGCTTCGGCAGTGAACCCGTTTTGATGGCAATGGCGGTGAGA
GAGAGCGAGCGAGAGCACAAGCAACAAGAGCGAAGAGTGGCGAAACAGGTTCTGCTCGCA
CGGAGAGTTATCGCCAGCGAGCATAACAAAAAATCGGCTCGAATGGGACGGTTCGTGTT
GCAGCGCACTCGTAAGACCGAAACGTCGACTTTTCTCCCTGTGTGGGATTGAAATTCGT
>EP17017 (+) Dm[Ubx]; range -499 to 100.

TTGCACTTCGTTGTGTGCAAAATTATTTCCCAAAATATTGAACAATTAATAATGACCAGC
TTAAACTGAATAGAATTAGATACAAATAATTTGCGTAAGCCATATTCTAGCACAAAGATT
GGGAACTGAACTGTAGTCATAAGTGCCTAAAACCGAGCAAAATACGGGATGCGCATCGT
TTGGCGTGCAACTGGCAACTGGCGGGCAGCCGTCGAGCGTTTTTCGCCACTCAGTTGAA
GGAAAATCAGCCCTCTCCATGATGAATTTCCGCGGCGAGCGCATTTTCTTCTCGCG
AATGAATGAACGAGAGGCGCCACCCCGATAAACTTAACTGAACGAACACTCAAGAGAG
AGCGCAAGAGCGCTCAAAAACAATCTGGTTTTGAGCGTTTCGCTGGCTCTCTGTTTCTGT
TTTCCACTCGTTTTTAGGCCGAGTCGAGTGAGTTGAGTCGGCAGAGCAAAGTCAAAACAC
TGCAACTGCGATTTGGTGCCACATTCTGTTGATGGCAACGGATTGGATAACAGGCGCGC
GCTTTGTTTTATTATCCACATTATCAGCGGCAATTATTGTTATTATTGGCCCTCAGCGCTT
>EP15015 (-) Df[Ubx]; range -499 to 100.

CATGATGAATTTCCACGATACAGAAGCCAGAGTAAATTTCCATATGAGCAAATGATGAA
TACCGAACAAGTTGGCCACTCAACATGTTTGAATGAATGCGCTCGAACGCAACAAATGA
ACACACAGTTCACTGAGTGAGAGCGCCAGCAAGAGCGAGCGAAGAAGTTTGAGTAGACCT
TATCATATGCTGAGCGCAGTGAGTGAGGCTCATTCTGTTTCAAGTTTCGCTCATTCTTT
GTTGTTTCGCCCTCTCTGTTTTGGCTGCTTCTTCTTCTGCTGGTGTGCTGTCTCTGCTG

CTGCTGCTGCTGCTGCTGCGTATCGGGGAGCTCTACAGGCAAACGACTCTGTGACGTT
GCTGTTGCCGTTGCCGTTGCCGTTGCCGTTGCCGTTGCCGTTGCCGTTGCCGTTGCC
GTTGCTGCTGCTTGTGGCCGTTGCCATTGAGTTTGTGAGTTTGTGAGTCTCAGTCAAAACAC
AACCAACTGCGATTTGGTGGCACATTGTTGATGGCAACGGTTTGGATAACAGGCGCGC
GCTTTGTTTTATTATCCACATTATCAGCGCATTATTGTTATTGGTATTGTACGCTCAAT
>EP15018 (+) Dm[Notch] P1; range -499 to 100.

AGTATGATAATTGCAGGAAGCGGAGTTGCGAAAAAAAGGTACGGAAATGAAAACTAA
GAACGTATTGCGGGAAACCTAACTTAAGTCGAGAACAACCTCAAATTAGTTGAAATAAAG
ATACGAGAACAAAAGGAAAAATAAAATACCTAAAAATGCTACAAGTGCCTTTTCAATCA
AATTTATGCACATTTTTTCCAGTGCCTACGAATTTTACATTGTGCAATTTTACATTATA
CATAGCGTAATTTCTACGAATCTTACATTGTGCAATTTTACATTTTACATAGCGTAATTT
CTACATACCGCTATGACGGCACTAAAGCGCCATTGCGCGAAATGGGAAACTACTCATGC
AAGCGGCTCGGAGCCCGGCTAACGTTATTTGTTTACCAACCGATCTCGCAACGCTGCGAA
AGAGCGCGCTGCCAAAATGGCTCCCCGCCATACGGTATCTTTTTCTTGACCGACGCGGT
CACACTGCCGATTTGAAACAGATCGCTTTTTTCCAGTGGACGAAACGGTTGTGAAAGCGG
ACGAGCGTTAGGCAGACGAACCTGGAAGCGCAGAGCACAGTTCTCAACATTTATTTTTT
>EP25081 (+) Dm[Notch] P2+; range -499 to 100.

ACAAAAGGAAAAATAAAATACTTAAAAAATGCTACAAGTGCCTTTTTCAATCAAATTTATG
CACATTTTTTTCCAGTGCCTACGAATTTTACATTGTGCAATTTTACATTATACATAGCGT
AATTTCTACGAATCTTACATTGTGCAATTTTACATTTTACATAGCGTAATTTCTACATAC
CGCTATGACGGCACTAAAGCGCCATTGCGCGAAATGGGAAACTACTCATGCAAGCGGCT
CGGAGCCCGGCTAACGTTATTTGTTTACCAACCGATCTCGCAACGCTGCGAAAGAGCGCG
CTGCCAAAATGGCTCCCCGCCATACGGTATCTTTTTCTTGACCGACGCGGTACACTGC
CGATTTGAAACAGATCGCTTTTTTCCAGTGGACGAAACGGTTGTGAAAGCGGACGAGCGT
TAGGCAGACGAACCTGGAAGCGCAGAGCACAGTTCTCAACATTTATTTTTTTTTGAAT
GTGTGTGCAACACGCACGTAAAATCGCGCTGCCAACAGGATATACAAACAAATCAATTA
CACAGCAAGCAAATGCAATGAAATGAAAAGGATGGCCCCAGCGGAAAGCCGTTACAGCA
>EP16023 (+) Dm[AS-C] tr-4; range -499 to 100.

AAATTGTTTGAACACCTTTAGGGAGCGTACTCCGAATGTCTAATAAGGAGGATCCCAGGA
TCTTCTGTCGATCCCTTGGATCCGTCGGCGCTAATGAATAGAAGCGTGCGTGAGCTGCA
CATAAAATTGGCGATCGCGACTTTTGCTAAGTTAATTAACACAGAAATCAAATTGCTGGC
GTGCCGTAGCAAAAAGAGCCCTCACTCAGATACCTTGATCGTTTTTCGATATTTGAGTT
GATATTTTGAAGTTTAAATTTGAGTGTCTTTTGGACTGTCGAGTGAGAACAGTTTTCC
TGTGGGATACTCGAGTACCTGAGACAGAGAAAGAGAGAGAGACTACCTGTGGCTCACTCA
CTTCGAGTTCCCTACCTGTGCAGGTAGCTCTTGCCGTCACTCTCTCTCTCTCTCTCTCTC
CGATTCTCTCGCCCGTTTCTGCTGAGTGTGTGTCAGAGAGTTGCATAAAGGGTACAT
AACCGGAGGGTTTAGGACGAAGGGACTCATTCTTGTTAAGGTGTCAACGATCAAGTTC
AAGTATTGTACTCTGTTCAATTTATTTTTTCTGTTGATCGTTATCCGGAAAGTTAAAGAA
>EP16024 (+) Dm[AS-C] tr-5; range -499 to 100.

CACTTTTGGTAGTGATAAATGTAAATGTCCCCATTTTATAATTGTAATGACAGTCTA
TTCCACTAATTTTGTGATTTTGTAGTTATACAAATTGGATGGCCACTTTCAATAGGA
GATACAGCTTTTACTTCGGAGGTGTTTTACTTGGCTCTGATGTCTGGACCTTGTTGCC
TTTTTAAACCGTTTGGCAGCCGGCACGCGACAGGGCCAGTTTTCGTTTGGGGACGACAG
GCAGCTGAAAATGAGCAAAAACACTCAGAACTCTTCCCACTCGACAACGGGAACACTCA
GGTCACCAACAGCTGCGTTTTACAGAGAGAACGAGAGATAATATTACTACCTCTCTATTA
AAATCAGAGAAAACACTCATCTCAAGAGACGATCCTTCAGTGATGATGCTGTTGCACCTT
TTCCAGGGGCAGGTAGGTAGTCACGCAGGTGGGATCCCTAGGCCCTGATACCTATAAATA
GCCTGAACGGAACGGGGAAGGGCATTAGAACAGAGCCAGCGCTGAAGCAAGGAGCATCGT
CACACAATAACGTTATACTATCTCTTAAAAATGGCTTTGGGCAGCGAAAAATCACTCTGTTT
>EP11032 (+) Dm[ninaE] opsin Rh1; range -499 to 100.

ATAGATTATTTTACTACTTCCAAAAGCTGGCATTCTTTTTAAGATAATCCAAGATTAGCA
GAGCCCTCAAGATGTGCGTTCATCGGCGCACACACTGCGTATACTTGATTGCGCATACGC
ACTGGTGTGCGAGGCGAACGATACTGATATTTCTTCTGCTACGATATGTTTTATAATAT
TCTTCAAATTTGTCTAGGCATTGACACATTAATCGTCTGACTTTGCGCATTTGCTTTCTGC
ACAATCTGGAGACTCAAGAATAATACTCGGCCAGAACCCCACTGGAAACCTTGAAATG
CCTTTAACTATTGACATTGGCCCATTCGATGTGCGCTTGCTTTGTTATGGATATTATG
ATTATAAGCCAAAAGCTGTGACACTTTCTCTGACATTGCAGACATATTTTTAGGCTG
GCCTAATTGAATTTCAAGAGCAGGGTTACACGAGCACCGCGAAAACATAAAAGCCATG
CGGCAGAATGCAGACATTGCAAGTTTCCAACGACCAATCGCCGCGACTAGTCCGCCCCAG
TGAAATATTGCAATCCAGGAACCTTTATGTAAAAAGTGTTAGAAATATTGTTAGTGAA
>EP11033 (+) Dm opsin Rh2; range -499 to 100.

TGCAAGCAGCTCATCTTAGCCAAAAGTGGACATTGTCAAGTACGAGCTACCCAGCACT
GATGATGATGAGCTCTACTACTCTGGCAAGGATAATGCGCCGACGAGCTCGGCCAAGGCG
AATCACTTGACGGAAACAAGCCATAACAACAGTGGCATATATCTGCTAAACACGGAGATA
AGATCCTCCGGTGGACTGATGTCCTCGTCGACCGACCCATCCAACCTGAAGACCTCGATG

CCATCCTGCAGCCAAGGAGTGCAGCGAAAACCTGTGCCAGAAATGTGGACAGAAATTTCTG
GCTGCCCTTTAGTGTCAGAACTAATATTCAAAGGCGGCAAATTAACCTTGCGCTTAGAT
TATGTAGCGTATGAAATTAATAAAATTGACTTTTATCTGGCAGCTGTCCGCCGTCTATA
AGTCTTCTGCGCCTCTTTTGATGAGCGGCTAATTGGGTTAGCAAACATCTATAAAGGGCT
GGGAATTCGGCCTCTTGGCACAGATCCACTTCGATGAGCCATCGTCTAGTCAAAGGGGTT
GCGGGTAGCTGAGCATGGAGCGCAGTCATTTGCCGGAGACGCCATTGACCTGGCCCAT
>EP15011 (+) Dm[92CD] opsin Rh3; range -499 to 100.

AATACACAAATCCGCAAATTCATCTCACTTCAAATAGCCTGGTACATAGTATCTACTAA
CATAACTCATATTAATAAAAGCAACCAACAGAGGGCCGAAGTTCTATTAATAAACTA
ATATTTAACTATTATATATACATTTTATTTACTTGGTACGCTTATGATAACCTTCGAAAG
AGAACCAACACAATACGCTTTGTCATTTGAAAAATAAATATGCTGTAACCTACTTTACAAG
GTGAAACTCTTGTGAGAAGATAAGAGGCTAGGTAAGTTGATTATTCAATCAGTTTACTTA
CTGCAACCCAAAATGGTCACTGCACTAACCTTCAGATGAGCTGCACTACACCCTCAATCG
AGAATCAATGCAAAACGCAGTGCCAGCGAAAATGTCAGCAAGGGATTAGGCCAATCCCAAA
CGGGTAATCCCGCTGCGACAATGCTAATCCAATTCGATGGGCCGTATAAAAGCCCCAAG
CTGGGCTGGCTGTGATTTCTGTTGGCCCGCAGACCGGAGCATGGAGTCCGGTAACGTGT
CGTCGAGTCTGTTTGGCAACGTGTCCACCGCGCTGCGGCCGGAGGCGCGGCTCTCCGCCG
>EP23033 (+) Dm c-ras2; range -499 to 100.

TTGTTGATGTCTCAACCAAGGTGATGCCCTCGGCGCTGATTTCTGTCATCTTGGTGCA
GCGGACACCATGCGCATACCCAGCTTGTCCACCACCAGCACCCGCCATTCCATGCCGCC
GCCCCCGCAGCGGACGTAACGCCCTGCTTTTTGGGTGGTGGAGGCTTGTACTTCACCACC
TCGTTTCATCAGCTTTTGGCCACCAGCACTTTCAAGGCCATTTTCACTGCGTTTTATTGG
TCACGGGCGCAAAGGCAACTCGATTATGAACACACTGCGTGTAATATGTCTTTTAGCT
TATTCGTTCTGCTTTTTCGCTGGGCTAACTTGACTTAAAGAATTTTATCTATTCTTGG
CCAATTTTTCTGTATTTTTTCTGTTTGTGACTTAGCCTTAGTGATGGGCGAAAGTCGAT
TGCTGGCTAGCGATAGTTGATATCGATATTACTGTCTAGCAGAGACGCGCACCCGTCTCA
GTGCGAGTGTGGATTTCTCAGTTAACCGAGAACGGTCACGCTGCTGCTGTCGAGGAAGGA
AAATAAAATAATTTTGTGGCCAACCTGGTCGATTTAAACGGGGAAATGCAGATGCAAACG
>EP15019 (+) Dm[zeste]; range -499 to 100.

CATGCGATACTGCACCTTGAAAAAGGTGATCTGGAGTCCAGAGTTTTGTGGCACACTCCA
GCGCAGCATCACGACTCGTCCGACAGACGGGTGACATTGGGTCTGACGGAGGCACCAT
GCTCGCTGTAAACAAGCGTTTTTATTAGGTTTATTTTAATTAATTGTCTTGATGTTATTAT
TTACAATTCTGAACATTTGAATATCTGGCGTTGCCAGACCAGATCATCGATGTACATTTT
CATATAAAATCGATGATAAGGAATAAGATCGGATAATTGCTATTAGAAAGCTCATGAAC
ACTAAGCAACTGACGGAACAATAAATTTATAGATACAAAAATGTAAATTGTTAAAAATGC
TGCAGAAGTTAACTTGTAAAAATTAACGTGTAAAAGACCAACATTATCGATAGATTAGT
GATGCAGAATTTAGAGTACACATGATATCGATTGGTATCGACACTACGGCATCGATACCA
ACTCTCGCATATCGTAAGTGTACCAGCTCTGATATTCGAGTGAAAATGTGTGCGTGTA
AGCGATTTATTTATTGAGCGGCGACTCTCGGGCGTCCAAAAACTTTTTTATTTCTTTATG
>EP11041 (+) Dm[per]; range -499 to 100.

ATCCGCCGCCAGCCGGCTCCCCGAAAAACACCCCTCGGAAAACGTGCTGCCAGCCGCC
ACCAGGCAGCCCCAAAAAGGCAGGGGATTCCATAGCTTTCCTTAACCTGCAGTTGGTGCG
TGGGGCTTGGATTGACACTTGGCATCGGCAGTGCCATGTAACTATCCACAGCATAGAT
AAAAACCAAAAGAACTAGTATTCAATAGAAGCTATGAAAAAGAAAGATATCCAACATTA
TAGCAATCTATAAATGGGGTTTCTTGCTATGGAAAAGGGAGTCTTTGGCATTCCAATTAC
TTGCTTTTGTGTTTCGCGCAAAAGCTTCGCCCAAGGGTTAATGTTTGGGTCCGAGTATCT
CAGCCGACAGCGATTTCCCGAGCGACTGCGATTCCAGCGATTCTCAGCGACGGCGGAG
AGCAGCGAGTGAGTGTGAGAAAATTCGGGAATGCGAGTGACGGGGGCTTATACACCGG
AGCTTGCATGCGAGCACTAGTGTTCTGTCGAATTTAGAGCCAGAAGTGCACAACGCGT
TCGTGCAAGTAGAAAGTATTGCCATATACCAATAAATCGCAACAACGACCTGTCGAA
>EP66001 (+) Dm E78A_A; range -499 to 100.

AATTGAATTCAGCATTAACGAAAGAACTGCGCACAAAGTAGGGAGGCAATAATTACATA
TGTACATGGCTGGGAAAGGCCTTAATAAAGTAACTAGCAAACTAATAAATAGAAAAAGGAA
ATATTGGCCAAATATTATAGTATTGGGAATATTAGGTTACTTGATATCAAAAATTAATGT
CTATTTTATACACTTATTCTTAGACTTAATGTTAACTTATCGTACTTATTATGATTGGTT
TTTCAAGATTACCAGAATTGATAGATTGGTCTAGCTTTTGAAATCGGATAGCATTTTCT
TTAAAGGACTTTGCCATATGCTAAAGCCTAACTTCTTTTTTCAATTCAGCCACAGCTGAC
AAAAGCGAAGAAAAATTTGAAAGACCGTGAAATCCTTTTGAAACGCCCTCTCCGATTCTC
ATTAAGTGCAAAAGATATAACATCGCAGAGATTTCCCATAAAAATGCTGATCAGGCGCCC
TCGAGGTTGCCAACGTGATTTCCGCCAGCAGGACGATGATGAAGATGATGGATGCCCA
TCTACCGATTGATCCGAGCAACATGGATGTATACCAATAGAGCTGGAGGAACAGGCA
>EP66002 (+) Dm E78A_B; range -499 to 100.

GAAGAAAAAAGTGCAAAACAGATGCAATGCATCTAACACCGGTTAGGCAGCTTTTTCTC
CTTTTTCAGTCGCAAGTCGAGCAGCAGTTGCATGCAACAAACACATCAGCAGCAGCA
GCAACATCAGCAAACTTGTACTCAATTTCAATTGGTGCTCTGCCGGCGTCTGCTGCAAC

TGCAATGCTTCATGCTGCACTCGCAAAAGCAAAGCGCTCATCAAAAGCTCTCTCCGTGC
TCTCTTAGTGCCGTCTCTTTCTGATTTGTTTAGCCCTTCTTTTCTGTTGTTATATCCCT
CTTTTTCTGATTTTTAAGCCGACTGCTCTCTTCGTTCTTTGTTTTGCTTGGTGATTCT
TCAGCTGCTGATGTGTTGTTGCTGCTGGCGAACTGTAAAAGCTTAGCCCATGGCGTCGAC
GTCGACTGCGACAGCGACGCTAGCCGAGGCAGTGACTGCGACGTTGGCCACTTTTCGCCT
TCGTTTCGCTGTCGTTTTTCAGTTGTCTCTCGTTGCTCAAAGCGCGCGGCACGCGAACGCT
CTGAAATCCCAAGTTACAACAGCAACATCAAGCAGCAGCAACAACAGTGATTCGCTGGCA
>EP70010 (+) Dm 74EFA E1P1; range -499 to 100.

AACAGGTAAGAAGAAGCTTGCCATTGAATTACGATATTTTCAATTTAAGTAAGTTTTTGA
GTATAAAAGTGAGTATAATGTACTGCTTACTTTTTTGAGAAAGCAGAATACTTGCTGAAT
GAGTTTCCGCCGCATTGTAATTGAAATGGATTTAGCGTTAATCGAACGCAAAGCAATGTT
AATATATTTTTTGGCCTTGAAATTAATAAGGTGTTGTTGGAAATAAAGTACGCAAAAAAC
AAAAACTATTTCCACAATTTGACGTACAGAGGATGCACTGTAGCTCCCTACTCTCTTT
GGCTCTCCCTGCAATTGCAATTGCATTCGCTCTCTTAGCCTCGCTTGCGCTCTCTACGC
TAACGAGCTTTGAAGTTGAGAGCGTGAACCTTGAGCGTTTCTCTGCCGTTGTCGTCGCGAG
GTGGAGGTGCGCTGGTGTGCGTGAGCGGGTCTCAGTGCAGCGCAGTGCCTGTGTGCAAAA
ATACGCTTTGTTGCGCTTTAGTTGTTCTTTTACTGCTGTAAACGACAGTCGCAATTTTG
CCCCAATCTGATTCGAGCGAATTCGAATGCGAAGAGGAAAACCTTCGCTTTTCAAACACG
>EP70011 (+) Dm 74EFB_2 E2P2; range -499 to 100.

TGCATTGTAAAACCTTTGAGATTTCAATGCCTGCAAAATCAGTTAGTGACAACCTCTTTTT
GTCATATACTAAAAACATAAAATGTTTCAAATACATTGATTAAGTCTCACAACGGGAA
TGCATTTTTCCCTGTGCAGCTGAAAGTAATCCTAACTTGACAACATTCTTGAGGGACTTG
CTACTGTGGATGTCCCTCCTCCATCCCCACCCGAGAACCCACGAAATCCCTCGAGA
ATTGCATGCAAAATGCGCATGTGGCACACAAATCCCCAAACATGCACACACACACACA
CATACCGGTGCAACAACGAGGTGGTGGGGGTGAAGAGGAAGACGCAGCAGAGAGAGCTCC
AAACATTCGCGTGCTCTCTCGCTCTCCCCCTGTCTTTGCCCGCGATTACGTTTGTTTGC
CATTTTTGCGCTCTCTCGCAACGTTTTTCGCAACACCAGCGGCAGCGGCAGCAACGTCGT
GCCGTCGATTGAGTCGTTGAGTCGGCGTAAGCGAGTCGAGCGAGCGAGCCCCATTGAGTC
CGGCGATTTGGCTCTTTTGCACTGTGCAAGTGTGTGTTTCTCCGCGGTGCGTGCGTCC
>EP70012 (+) Dm 74EFB_3 E2P3; range -499 to 100.

CACATACCGGTGCAACAACGAGGTGGTGGGGGTGAAGAGGAAGACGCAGCAGAGAGAGCT
CCAAACATTCGCGTGCTCTCTCGCTCTCCCCCTGTCTTTGCCCGCGATTACGTTTGTTT
GCCATTTTTGCGCTCTCTCGCAACGTTTTTTCGCAACACCAGCGGCAGCGGCAGCAACGTC
GTCCCGTCGATTTCAGTCGTTGAGTCGGCGTAAGCGAGTCGAGCGAGCGAGCCCCATTGAG
TCCGGCGATTTGGCTCTTTTGCACTGTGCAAGTGTGTGTTTCTCCGCGGTGCGTGCGT
CCGTGTAAGTGTGTGTGCGTGAGCGGTGGAACCTGGTGCAGTGGTATTGGGGCATCGGTGA
GTGGGGGCGCGCGCGCTTTTGAGCCGCGAGCATCGCAGTCGGCGTCTCTGCTGGCGCTG
ACGTGCAAGCCGACGTTTGTGTTGCGTGTGTTGCGCGTAACAAACACTCGCAGCGGTTTT
TGTGCTGACTTTAGATTTTAGTTTTGCTGATACCGTAAGAGATAAATGACGTGCCGCGGC
GAGCGACGAATTAGCGGCCCAAAACAGAGAAAACTCAACAGCCAAAACACACAGAAT
>EP70004 (+) Dm cecropin A1; range -499 to 100.

AAATGTAAATTAAGTTTTTCAGATTGCTACGTGCTCAGTAAACAATTATTTTTATTGTCA
TTTAATGCCTATTGAATTTTTCAAACCTTAATTTAGTGCCTTTAGTAAATATTGTAGTGA
TTCCCCTCGAAAAATACCACAAATTGGATGCGTTTATGTAATAAATTGCCCTTGAGTGA
TAGAGTAAATTTGAATTTGACTGTCTTAGAAAGATAGAAAGAGATCAATTCAAAATGCCA
AAAGGATAGAGTTATTAAGCTCTAATTCAAATTGGCCAGAACCGTTTAAAGGATATTA
CAATTTGTAATTTACATATTTGGATTATAGCATTGAAATCCCCGATTGTTCCCTAGATGT
GCAGATGTGTGCTTGAATCAGATCGGTTACCTTCAGTGTACTTTTCTCTGCAAAAATCC
CCGTGCACTGCTTATCTGTCATTTGTTTTTCAAGCTGGCTGTTGCGCTATAAAAGCTCT
CGCCTTTTGTATCGAGTCATCAGTCGCTCAGACCTCACTGCAATATCAATATCTTTAGC
TTCTCCTAAGAAAAAATCAAGAAAAATATCACCATGAACCTCTACAACATCTTCGTTTTCG
>EP70005 (+) Dm secropin A2; range -499 to 100.

CAGAAGGACGTTGGTCTATACACCCTAAATGCTACCCTGCAAGTTGCTGAAGTCGCTTCG
AAAGCAGCCAATGTGGCAATCACTGCCAGGGGATAAACTTAAGTTAGGGTATTATTTATA
AGAAATTAATTAATAGATTTTATTTTATATTTTTTGTATATTGTTATTCAAACCTGAT
AATGTAATATACGCTTTTCAAACGATCATTCAAATCAGTTGTGGGCTTATCGCAAATGA
TTTCGTAGTGTTTTTATTTTGATTGATTCAAAGAAGGGGTTTCTCTCTGATTCTTAGTC
TCCCGCATTGACGAGGTAAAAATCCCTATGCATATGAAATATGCAAAATTTAAAAATCCC
CCAATCCGACAGGTTGGTTTTGATCGGTTTGGATTCTCTCGTGTACTTTTCAGCCATAA
AAATCCCCTTTTCGAGCCTTATCAGGCGCTGAACCTTAAGCTGATTGCGCTATAAAAGCTCT
CGGCGTTCCTGGTGCAATCAACAGTCGATCACTTTCCATTGCAACAGCAACATCAGAGCT
ATAGCTACTCTTGCAAAATCTAAAGTCAAATAAAACCACCATGAACCTCTACAACATCTT
>EP70006 (+) Dm cecropin B; range -499 to 100.

TGCTGATAATTGAGTTCCATTGCGAACTAAGTGACTGATAGTCTTATAAATCTAAAAAA
AAGAATACAGCATCTGTGATGCTAAAACGATGACAAATGGGATTTTGTCTGTAAAAAAA

TAATAAAAATTAAAATAATAAAAAATGGGAGGCTTGTCTTACGGGAATACTATATAGG
GAAAAACACACTACACTTTTAGTGATGTTCCCTAAAAGTTTAAAAAGTAATGTTTCATT
ATAATTACTTTGTTTTTAATTGTAGTTTTACGTTATTTTTAAGCTAGTTTAAATCATCAT
AATTCAATAGATTAATCAAATCATAGCTTGCAACCAACCAGTTACTCTGAAATATCACTT
GAGTAAGTCACTTTTCATGGCGGTTCCGAACTGAGTCCATCTGCTGGTGAACCTTTGTCCC
GCAGCAAAAAATTCCCGTCTGTGCAGCCGTAGCATCTGTTGGTATCGCTATATAAGCTCA
ATCTCTTCGATGTCCAATCATCAGTCGCACAGTTCTCACTGCAACAGCTTAAGCTTTCTT
TCAATCCGATCGTAAGCCAACAATCTCGTCATGAACCTCAACAAGATCTTCGTCTTTGTG
>EP11042 (+) Dm metallothionein; range -499 to 100.

GAATCGAGGGAAAAGCCAGTAATGGCCACCGCATCCATATACCCGTTAATTGGGATGGCC
CCAAAGGATCTGTGGGAGTCCCAACTATTGCGTAGCAGTATTTACTTGCATTTTCGTTGCA
CTGGAATTCGTTGCAGGACAGGATGTGGTGCCCGATGTGACTAGCTCTTTGCTGCAGGCC
GTCCTATCCTCTGGTTCGGATAAGAGACCCAGAACTCCGGCCCCCACCGCCACCGCCA
CCCCATACATATGTGGTACGCAAGTAAGAGTGCTGCGCATGCCCCATGTGCCCCACCA
AGAGCTTTGCATCCCATACAAGTCCCCAAAGTGGAGAACCGAACAATTCTTCGCGGGCA
GAACAAAAGCTTCTGCACACGTCTCCACTCGAATTTGGAGCCGGCCGGCGTGTGCAAAAG
AGGTGAATCGAACGAAAGACCCGTGTGTAAGCCGCGTTTCCAAAATGTATAAAACCGAG
AGCATCTGGCCAAATGTGCATCAGTTGTGGTCAGCAGCAAAATCAAGTGAATCATCTCAGT
GCAACTAAAGGCCTAAATAGCCCATACCTACCTTTTTTTGTAAACAAGTGAACAAGTTCGA
>EP07026 (+) Dm hsp 70K; range -499 to 100.

ACCTGTACGTAATTTTAAATTAACAACTAACAATCATCTGCATGCAATTGTCTGTATT
AATCTAATAAATAAATAGCTTTTTTAAGTTAGTATGTAAATACATTTTGAAGAATATCTT
GTCAAAGTTCATAGGCCCTTTCTGGCGGACAACATCCGTAACAAACCCTTCGATTATCT
CTAACATAATTAACCTAAGCAGCCGTATTTATAAAGAAATTTCCAAAATAAGTATATAT
ATAAATAAAGAATATTCTAGAATCCCAAAACAACCTGGTTGTTGCGCGAGGCATTTGTT
TGCCAGAAAGAAAACCTCGAGAAATTTCTCTGGCCGTTATTCTCTATTCTGTTTGTGACTC
TCCCTCTCTGTACTATTGCTCTCTCACTCTGTCGCACAGTAAACGGCACTCTATTCTCGT
TGCTTCGAGAGAGCGCGCCTCGAATGTTGCGGAAAAGAGCGCCGGAGTATAAATAGAGGC
GCTTCGTCGACGGAGCGTCAATTCAATCAAAACAAGCAAGTGAACACATCGCGAAGCAA
GCTGAGCAAAACAACAAGCGCAGCGAACAAGCTAAACAATCTGCAATAAAGTGAAGTTA
>EP07027 (+) Dm hsp 22K; range -499 to 100.

TTATTAATAGCTAAAAAAAACAGAAAACCTTAATTATTTGTTAATATTAAGCTGTATTTT
TCATATATCTCAAGTTCTTGACTACACCCATGGCAAGCTTATCAATACACACACGTATAC
ACTCGCACTCAGAAAGCTGTGCACTCCCAACAACTTTCTCTCTCCCACTCTCTAATGGA
GCTCTCTCAATCTGTCTCTCTGCGTATGGAACTGACCTTCCCCAAGGCGCAACAGCGAG
AGAGAAGCTTCGCTAAATGCTAAAATAAAAGGTAAATAAAGTAATATTTGGACACCCAGAG
AGCCCCAGAAACTTCCACGGAGTTGCTAAAGAACAGTGAACAACCCCTAACTAAATGCC
ATTGCCCCGATTTTCAGGCAAGTGGAATTTGCATCAGCAAGGGCGAAGAAAATTCGAGA
GAGTGCCGGTATTTTCTAGATTATATGGATTTCTCTCTGCCAAGAGTATAAATAGCCAC
CGGTTGGACACTGCGCTCTCAGTTCAAAAAAACCAACCACTGCTAACAACTCGAAGAA
AGTCAACTAAATTAATTTTCCGAGCTAAATAGAAATTTTCATAGGATTGAAACTTCAGA
>EP07028 (+) Dm hsp 23K; range -499 to 100.

TTCCCCACTACAGAGCCCCATTCTTGATATTAATTAAGTTAATAGCTTAAATGCCAGG
CCATAAAAAGAGAAGTGTCTGCACTCTCGAAGTTTCGCGAATTTACTCCATCCTTCGT
GGAATATACTCCAACCTTCCTATCTGCTATGTATGTACATACATACGTGCTTACATACGT
ACATCTATACATACATAATATTTGCCGGTGCTGATGCGACTTATCACTCCACCAGGCC
TTTTCAATCCCACTCCCCTAGGAGATTGCTCATTTTCCATAGCGATACTCTCACTTTCAA
TGGCAGATAATGCGTAATTCGGGCAAAATTCGAGAACTCTGCGATATTTTCAGCCCGAGAA
GTTTCGTGTCCTTCTCGATGTCGATTTGTGCCCCCTAGCACACAGACACGACGCGCA
CACACAGCGCGGACGGGCGCACGCACACTACGATAGCGAGCGGTTGTATAAATAACCG
GCACTTTCTGTGCAACCGGCGTCAGTTGAATTCAAAAAGCCAAAGCGATAACAGCTAAAGC
GAAAGTAACCTATCAACAAAAGAAGTTTATTCTTTGAAGGAGAATCATCTTGAAGCAATT
>EP07029 (+) Dm hsp 26K; range -499 to 100.

CAAGTATTCAGTAAACTTAAAGACAGAAACACGAAATAATGTACTTAATAAAGAGGAA
AACCAGAATAAAAAAACTGACGTTTTGTTTTGTTTGCCGTTAGCCGGCTGTTTCTTTTG
CGCTCTTTCTAGAAAATTGCAACAACCTCTCTAGAAACTTCGGCTCTCTCACTCATACAGG
CGCACTAGCTCTGCTTTTGCAGCTACGACAACAACCTACATTTAAAATTTCTCGAAACTCA
TGGCATTTATTGGGAAAGGTTAGTTAGTTTATTTTTGTTTTAGAGCAGCATTCAATT
TAGACTTTTATAAAAAGAAATTTCTAATTTGATCCCTCGTTTATCAAACGATACAAAGCTA
TATTCATAATTTTTCTCTCTGTGCACGTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT
TCCTTTTTCTGTCACTTTCCGGACTCTTCTAGAAAAGCTCCAGCGGGTATAAAGCAGCG
TCGCTTGACGAACAGAGCACAGATCGAATTCAAAATCGAGCAGTGAACAACCTCAAAGCA
ACTTTGCGCAAAAGCAAACTTCAAACGAGAAAAAAAAGGATTAACAACTTTGCTTACA
>EP07030 (+) Dm hsp 27K; range -499 to 100.

ACAGCTTTTAAAAGAGCGATAAGAGAAGAAATGCTTTAAATAAATACATATATCTGCAT

ATATACGTACATGTACATACATATGTATGTACTGCATTTTAACTGTTCTGTTTTGCTTTTT
ATTCGCAAAGAGAACTCCCCAGAAAAGAAATGTCAAGAAGTTTCTGGTTCTTTCTCCCT
CTCTCTATGAAAAGCCGGCTGTGCTAGAAAAGAGCCAGAAGATGCGAGAGAAAAGTGTG
TTGAATTACGGGGCGTATTCAAAGGGGCTTTTAAATGTCGCTTAAATTTTAAAGTTTGACA
GGCTAATAATTGCTTGCTATATCTAAATATTATTATTTGCATTAGGGGATCATAGGG
AAAACCTTCTCTGCAGGCAAAATCTAACGAAGATGGCAACCCCCATCATTTTATTAAG
TTCCGTCCCTGGTTGCCATGCACTAGTGTGTGTGAGCCAGCGTCAGTATAAAGCCGGC
GTCAACGTCGCCGAGCACAGTCTAACTGAAAAATTGAAGGCAAACGTTGAAGCAAAC
TCGCTAAAAAAATTCGAAAAAGCAAAAAATTCCTTTGTCTAGACAGGGTTGTGAATAA
>EP07031 (+) Dm hsp 68K; range -499 to 100.

TATGTATCCTGGATATAGAGCAGTACGATTCTTTAAATTTTGGAAATAATTAATTGGAA
TAATTAAGTTTTGAAAAGTGTGTTCAACTTTTAAAGTAATTGTATGTCATATTCTGCAGA
GGAAATATTCCAATCAGAAGAAAAATACACACATATGTATTGCACATATAATAAAGAGA
TATAAACCAAAAAACAGAATCTAAAAATATGAATGGCTTAACGTATCAATCCGCAAATCAG
CCAAAAATAGCTTGACATACGAATTTAGTTTAAATGACCACTTGAATGATGACCTATGTCA
ATAAAAAAATATATTTCTCGAAATTTCTGAACTTTTCACTGTTTCACTGACAATTTCT
CCCTGCGAAGTGCACACTAGTTGACTCGCTCGCACACACGAACTGACTGGAATGTTCT
GACCCCTTTCTCGCAGGGAATCTCGAATTTTCCCTCCCGCGACTGAGTATAAATACGG
GCGCAAAATTTCCAGACGCTACATTTGAAATCAAACAGCCAAAGTAAAAACACTTCAGCA
AACGAAAAATAAAAAAGCAGTTCAGAGTGACAGTTGAAAAGTGAACGTTTACCAAGTG
>EP07032 (+) Dm hsp 83K; range -499 to 100.

GCTTAAATGGAAGTAGTTTATTCCAGAGGAACAGCTTGCAACCAAGTCTCTGAAAC
TCTGGAAATATCGATAGTCTGGTGGAGAAAAGTATTCATAAATATAAATAAAATTAACA
GGTCATAAGCTGATTTGTTTATTATTTACTGTTAAAACAAGTAAATAATATTGGGAACA
ATTAAATTTTCCATTTTCTAATTACAGTATAAGCCTAGTGGGCGTTTTGATATCCAATT
GTAATGTTTTAAGCAATCCAGTGGGCTTTGCTCAATCGTTCGGACCACTTAGACGAATT
TCCACCAAACTTAGTTCAGTATAATTTTGAATTCGCCCCGACAGGTTGCGCACTTTTCG
ACCGTATCACAACACTGATCTACCTAGTATTCACAGGAAGTTGCATCCCTGGCATCCAG
AAGCCTCTAGAAGTTTCTAGAGACTTCCAGTTCCGGTCCGGTTTTTCTATAAAGCAGAC
GCGCGGCGTTTGCCGGTTCGAGTCTTGAAAAAATTTCTGACGGTGTGCGTGTGTAACAAC
AAGCAGCGTCTGAAAAGTTTTGTGAATTTCCAATTCTATACAAAGCAAAGTGAATAATC
>EP11043 (-) Ds hsp 82K; range -499 to 100.

TAAAAAGGAAGTAGTTTATTGAGAGGAACAGCACCAGCAAGTAAACGAGACTCTGGAA
GTATCGATTGTCGGTGGAGAAAAGTATTTATAAATATAAATAAAAAATTAACAGATCAT
AAATTAACAGATAAGATGTTTATTATTTACTTTTTAAAACAGAAATATAATGGGAAAAA
TTTAATTTTCCATTTACCAATTATAGTTTAAAGCCTTAGTTAGGGCCTTTTGATAGCCAA
TTGTAATGTGTTAAGAAACCCAGTGGGCTTTGCTCAATCGTTCCGACCACTTAGACGAAT
TTCCACCAAACTTAGTTCAGTACAATTTTTGAACTCGCCCGCACAGGTTGCGCACTTTTC
GAACGTATCACAACACTGATCTACCCAGTATTCACAGGAAGTTGCATCCCTGGCAACCA
GAAGCCTCTAGAAGTTTCTAGAGTCTTCGAGTTCGGGTCGGTTTTTTCTATAAAGCGGA
CGCGCGGCGTTTGCCGGTTTGAGTCTTGAAAAAATTTCTGCGGTGTGCGTGTGTTACAG
CAAACAGCGTCTGAAAAGTTTTGTGAATTTCACTTCTACACAAAGCAAAGAGAAAAATAT
>EP11044 (-) Dp hsp 82K; range -499 to 100.

TTTTCGGGATTGCTTGCCAATACATTTTCGAAAAACAAAATGTACTACATTTTGTGATC
TCAGGGTGCTCCAATTAATTATGAATGCTACGACACTACAAAGCAGCTTGAAATCCGAA
TTTTAACAATAATTAAAGGAAATAGGGTATAGCGTATATAGGGTATCATAGCTGAAACGG
GTATACCAACAATAATGACGCAGCACTTACGTTTCACTCCGTACTCACTTACGATTTATG
CTTATAATTTTGTTCACCTCTTTTACTTAAACCTCACTTTAAAAACAATCAAATAAATG
GGAGTATTTATGTATATTTCTAAGATTACGGCGGTATTGTTCTGCTGTCTGCGGTACAC
TGGTTTTTCAGCTCGGTGCAACTCTGTTTTAGTACCGGAAATAGCAGCCCTGGATTCTCG
TAGCCTCTAGAAACGTCTAGAAAATTTCTACGCTTGCGGTTGGTTTGCTATAAAGCAGGC
GGGCCGACTGTTGCCGGCTCGAGTCTTGAAAAATTTTGTCCAGTGAAGGTGCGTTTGCT
TAGAGCGCAGTGCAACAAAGTGAATTTATTTCTACACAAATCGAAGTGAATAATATATAT
>EP11045 (-) Dv hsp 82K; range -499 to 100.

TAACGACGGCGTAAACAAAAAAACGCTTTACTAACTTAGTTCCAAAATACACATAAATA
AAAGGTGCGGCACACTTTATGTTTCATCACAAAGTTTGGCACTAAAATACCAAGAAAAACG
AAAAATATACCAAAAGTACGCATAGACTAGGAATACAAATAATTTGAAATATTTATTA
TTATACTTTTATTATGTATTGCAAGATTATACAATGTTTGTGCTAAAGGTTATTAATATGC
CAATAGTATTTATGGGCTTATTAATGACCTCCGATTTTTTTTATATAATACTGAAACCA
ACAGATCCCAACATTAACATATTTTCTAGAACTTTACAAAACCATCGACCTACAACAC
TGTCAGTTGTCTCCATGCAACAAATGCGTTGATAACCGGAAGAGGTAGCCCTGGCGACGAG
AAGTCTCTAGAAGTGTCTAGAAGTTTCGAGGCATTTTGTGCACCCTCTATAAAGCAGCA
GTAAGCAGATGCCGGCTTGTCAGTATTGAAACAAAATTCGTGCGGTGAGCATTGTGAAGC
GTCTGCTTGAAGCAAAGCAAAGCGAAAAAAGTGAATTTTCTGCCCCAAAGAAAAAC
>EP11046 (+) Dm[93D] (hs locus); range -499 to 100.

GGCATAGGTCCAATGTTGATGCTTTTGCTTTATGGTTATGCGGAATATATGTGGGTGCG
TAGGGTACAAAATACTGAATTTTCCAGATCTGAAAGTTCAATTGAGAATTTGCCCAAC
CATTGGCTCGGGTACACTTCCATGCTCTGTGGCGCAGTTGAAGTCCCCGCAAATTAGAA
AATTTCCATTTATTTGTGAGATCTTAAGGAGATCAGATCTATACAACTTTTTAAATGAT
TATGGTCCCAAGATAAATCACATGAACTAGGAATACATTTGAAGTATTTCCAGCAAAGT
AAATAGAGTAAATTTTTAGACTGGAATTAGAGTCAGTGTTGATTTGTATACCTACATTT
CAATAACATGACTTTTAATGCAGGGTATTTGTTTCATGTATCAATGTGTTACTAACTGCAA
TGGCAACGCCGCTCCCTACTTTCCTTCTGTATATAGTGTATTCGGGTA
TATTA AACGGTCACTATGAGTCAGCCACGTTTCATTTATAAGTGCTATGTGAATGTGAT
TATTTCTAAGAACTTGATCAGTTCATACGTTTGTTCCTAACGGCACGAGCATTCCATG

AATATAATTATATATTAACTAATATATTTATAATTAATTAATAATTAATAATTAATA
 ATTAATAATATATAATATAATATATATATATATATATATATATATATATTCAGTTTGAAG
 CTCTATTTAAGCATGATTTGTAGATTTCTTCCATAAAATAAAATATAAAATTAATAAAATAT
 AAAGTGTGTTGCAGTGTATGTGAAATGTAAGTGAAGTAACTAACAGCGTTCTGCTAAACGCAG
 TAGTGCTGCCAGATCGCTGCGCTAGTGCATGGAAAGACTGGAAGTATCGCTGTCACGACA
 GCTGTTACAGCTATCGCCGTACAGTAGTAAAATCTTATTCTGTGTTTAAACTTGTGTT
 AATTAAGAATTGGAATCCCGCTAAGAATCCTAGTCTTCCACACCCTTTGGGCATCTATG
 TAAACAGCCGCGCCCATATCTCCTTCGTGTGCCAATAACTGTGCGAAGTAACTGGCCG
 TGGGCGATGTTCCATCTCTAGTTAGTCAAAACATTAAGTGTGCGAAGTAACTGGCCG
 TTGAAAAATGATGATTTAAGTACTTAAAAAGCAGCCGAACAACGAGTAAAGACAGTCAAG

TGCAACTGAACCCATTGACGATTTTAATAGTTACATTTTATTACTTGTAACCTATCT
ACTCTGTCTATCTACTGTTCAACTGTGATAAAGTTAGAGTATCTTTCAAGATCCTCTGCC
ATGGTGTCAACACTCCTGGAAAGTGATTTAAATCAATCGGCAGTCGTACGTTTCGCTGG
CAACATGTGTCCAAACATCGCCAAGTGGAAGTGAAATAAACGGAATAAGCCAAACTCA
AGCAGGTTTAGGTTTTTGGCCTGCAACAAAAACAAAAACGAGTTTGTTGCAGCACATGTG
GATGTGTATGTGTATGTGGATGTGGCTGCCCCGCGAGACACGACATATGGACATATTGCT
TGTAACATTTATACAAATGTACTCTGTTTCGCTTCATAAAGTTAGAGTATCGTGCATGTTG
CCCCGCAACATGTGCTCTCGCTGGCAACATGTGTCTAAACATCGGTAAGCAGACAACTTT
TTTGTGGATCGATTGATCAGTTTAAGTTTTCCATTTGCACCGAACGCAACGCAAGTAGC
TCCCACAAAATCGGAATCAGCCGAAACGAAAACGGAACACAAATAACAGAACGCGCGCGC

ACACACACACAAGCAATACCCAGTTTGCTCTCTCTCTCTTTGCTCGCACACTAAGTATG
GCACTTTCTTTCAATTGCCACCTTTCCCCGCTGTCCGTGTCGTGTCGTTCTCTTCTGTGT
TCTTCCGTTTCTGTTCTGTTTGCAAGCTTTTTGTCCGCCGACACGTCCGCTCGCCAAAAA
TTTGTTGTCTTTCTAGAGAGTGTTGTGCGGTGTGACCAAATCTTATATTAGGCAAAATAC
TAGTATAACGTATCGATGTTATTGGCAAAGCCTATCGATGTTTTTCTATTGTCTGTGTTT
CTCCAGCCCTGTTGATCGTTAGCAGGGACACCATCCCCTTTACAAAGTAATAAAAAAAC
AAATATTATTAAATTAACCATTTCAAATAAAATAGCATTAAATAATATAGCAAAATCT
GCCTTCATATATATAATTTACAAGTATATTATTGAAAACGAATCCATTGTTTAAATG
TGCTGCCCTTATATCCGGCAGTACGGAACCTCGTCACTCGCGAGATGCGGTCACACTGCTT
GCGGCAAACGGA AACATGTAAGAAATTAATATTGTGATTTTGTCTTTAAATGTACAA

TGTGTGTATAACAACGCCAATTGCTAGGGTTTCTGCAAAACGTCCTGGCCACTTGAAGGT
GAAGTGTTACAATACCATAAAGGGGTTTCGCCATTTTTAAAAGTTATTTTATTACATTAT
ATTCAATAATGGAAGTTCAGTAGCGTGTCAAAGGATTTCTCTTTGAAAGAATACGTATT
CATATCCAGCATTTATCAGCTGAAAAACATGAGGGACTTTATACAATCTGTTAAATTTCT
TTGCATAAAATGATATATATGTTAATTAAAAATTATTAACAATAGCTAAAGTCCATGTAAC
CCCTTGAGCGCGGATGTTTTCCCAACACTCCTCGAATGGAATCCACATCCACTTTGTTGC
ACACACAGCTGGCAGTTGTTGTTTTATCCGACCTCCTGTGCACACACACACACAGACGG
ACGTACATGTATACAACACTCGGGGGTCGTTTGTGGACTCCATTTGGCTTGGCTGTTGGA
TCTTCTTTGCGTTTTCTTCATTCTGTCAGCGCCAATCGCGCGGTGTGTGTGTTGCGTTTT
TCTTATTTGCAAAATCGTTGGAAAATGGTAATGAAAATGTATACAATATAGCAACAGCAG

GAGTATTTTCTGAATGAAAAAACATTTAATATAATTTATAAATGAATTTCAAAATTCAA
ATTTGTAATAACAAAAGTAGCATGAGTAAATGATGATAAATGATAAGTGCGACATAAAT
TATAAATACATTAAATCAAAAGTGCATTTAAATGTCTGATATTAGAAAGCATGCATGA
TTACATTAAATATGAGTATATAAATAAGAAACAAATGCACCCCTTTGTTGATTTGCGCGAG
TGTATAAGCTATTGTACCCCGGCCGAGCAATTTACCGATGCTCTTGGGGTAAATTGAGAG
CCAAGTGCAGTTCCAAAGTAGGCGCAGACAGCAACAACATATGCTCGCTTTTGGCCGAAA
AGTGCGCACTCTCGCACACAGATACTCACGCACACAGGCGCACTAGCGCGGCGGCTCACA
CGCACACACACCAGCGCAAGCGCTCGAAATCGACCAAGCGGCGAGCATCGAACGTCAAC
ATATTGAATAAAATATTTTCAGTTGAACATCACAATCCGTTCAAGTCGCGGATAACTCCGA
ATAAAAGTTTTGTAAGTAAAAAGGAATACGTTATCGTTGATCAGTAAAAAATTATACAAA

GCTGTTCAAAGAAAAGCAGT⁼TAGCATAACGCTATTACTCATTACGTTGCGCTTACGTTGT
TTGCTGATAAGCGTGATAAAGCGCCGGCTTTGTGTTTTCCGTTTGCCGTAGTGGAAGCAA
TTAGTGGAACGAGTGGGAGGGGGAGAGGTTGCGTTGGCACACACGCACGCACACACCTGC
CCAATCGCCTTACTCATCTTCCTCGCTGACCATTTTACATGCCGATTTTTTGCATAATAT
TACTTGCCTGGAAATGACAAAAATCCAAAATATTTCTTACTAATTAATGCCAAAAACAAC
AACAATGTCGACATGGACAGAATTTTAGCGGCTTTTAAAGGTTTTCCAGTCGCACACAC
ACGCGTCACCATGCACACACACGCGCACCGTTTTAGGCGAGGCAGCACAGACAGACTGGA
AGGCAGTAGCTGCAGCGGCAGCAGTTGTCCGCTCGCACAACCACCACCGCCGCTTCGA
CGGGCGATTTCGATGGATTTCATTTCCAGTTACGTACTCGTCGCAGTCGCGTCTGCTTGC

TCTCTCTGCGTTTTTGTGTTTTTGCACCAAAATAGCAATATTCAATATTTAAACGTAGCA
>EP77011 (+) Dm SAMS_1; range -499 to 100.

GTGGGTATTAGAATTTTAAAAAATGTACATGCAAAAAGCTGATTACCAGGCTCCTTGATCT
TGGCAGACCTTGTCTTCTTGGCTGTGGCATGACGTAAGCACTTTTTCAAAGCACA
AATTGTTTGAATAGTATGAGAACCCTAATTGACGACTTCTTGACAAGATAGTGTGAA
CGATCCATCTCCAAAAGGGCAGTCACTCCATGTTAGGGAAAAGCTAGGGTTTCAACAGAT
ACAGACATTCGTTTAAAAATTCGCTTCAATTGCGCTTCGTGTAGCGATTGTCTATATCA
TCGAATATGTATATGTCAATTGCTGTACATAAGAGAAGCCGAGAGAGCAATGCTAAACAG
ATTTTAAAAATTAGGTATATAGGTGGCTGCCGTGGTAGCACATAGTTTTGTTCTGATAAG
CTCTTATTTCTTGCCGACTCATCTTCTCAAATGCTGTCTACAAAAATTTATAAATATTAT
TCGTCTGTAAAAATCATCCGAGTTGAACGCAGGTTGAGCAGGAAGCTAGTCGAGACTAT
AATCCATATCTTGTCTGATCCTTTGTTCAAAACCACAGTGAGTATAAAATAAAGGATCTG
>EP77012 (+) Dm SAMS_2; range -499 to 100.

TGTCGAACGATCCATCTCCAAAAGGGCAGTCACTCCATGTTAGGGAAAAGCTAGGGTTTC
AACAGATACAGACATTCGTTTAAAAATTCGCTTCAATTGCGCTTCGTGTAGCGATTGTC
TATATCATCGAATATGTATATGTCAATTGCTGTACATAAGAGAAGCCGAGAGAGCAATGC
TAAACAGATTTTAAAAATTAGGTATATAGGTGGCTGCCGTGGTAGCACATAGTTTTGTTCT
TGATAAGCTCTTATTTCTTGCCGACTCATCTTCTCAAATGCTGTCTACAAAAATTTATAA
ATATTATTCGTCTGTAAAAATCATCCGAGTTGAACGCAGGTTGAGCAGGAAGCTAGTCG
AGACTATAATCCATATCTTGTCTGATCCTTTGTTCAAAACCACAGTGAGTATAAAATAAA
GGATCTGGATCTAGATTCACTACAGTTCACTCCGAGCGGGGTGGCAACGCTGGGCGGCG
GAACAGCTGCTTAAACCCAAAAACGTGGAGATACTGAAGAAGTAAATCATTTGAGAGT
ACCGAGAACGCTAGGAAAGTTTCCCTAAAGAGCGCCCAAATAAGTCTCAAATAATAATC
>EP77013 (+) Dm SAMS_3; range -499 to 100.

TATATAGGTGGCTGCCGTGGTAGCACATAGTTTTGTTCTGATAAGCTCTTATTTCTTGCC
GACTCATCTTCTCAAATGCTGTCTACAAAAATTTATAAATATTATTCTGTGTAAAAATC
ATCCCGAGTTGAACGCAGGTTGAGCAGGAAGCTAGTCGAGACTATAATCCATATCTTGTCT
TGATCCTTTGTTCAAAACCACAGTGAGTATAAAATAAAGGATCTGGATCTAGATTCACTA
CAGTTCACTCCGAGCGGGGTGGCAACGCTGGGCGGCGGAACAGCTGCTTAAACCCAAA
AACGTGGAGATACTGAAGAAGTAAATCATTTGAGAGTACCGAGAACGCTAGGAAAGTTT
CCCTAAAGAGCGCCCAAATAAGTCTCAAATAATAATCGAGTCAGCCGAAGAGAACC GCC
TCCTCCGTTTGCAGGATAAGCAAAAGCCGCTCTCTCGTTGGAGGTATAAATTTCTGAAT
GGCATTAAAAAGTTGCGCTCTTTTCTTCAAGAACGTCGCTAAGATAGGACGTGTGTTGG
CTGCGCCGCTGATTGTGGTGGCTCGCTGAACAGTATAACTCAGAATCAGTGTGTATAA
>EP77014 (+) Dm CAP; range -499 to 100.

ATCAAGATGAAGAAGCATAATGGGAAGTACACTGAGCGAAAATGGTTATCCAATAGAGCC
GTAGAGACCATTAATGTGGCAAAAAACACTTTTACACTTTTGCCCATTTCTTAAGATTTA
TTTAAAGGAAAGACAGTACAGAAATTGTTTAAATCTTTAATTTTTTGTGCGTGATAAAG
TTACCAATATTCGACCGCTCTGACCCACTGTTCCACCAACAAGCAATTCACACACCCAC
TGCACCACCAACAGCAACAACAATTAACGTGAGGCGGCGCGCCAAAAAACGGAACCTG
TAGTAATACGAACGCCGCTATCTCTGGGAATTACTACCCGGCAGAGAGTCGAAATCGAA
ATCTCTTTGACGTGCGACGCGAAGCTTCGTCTTCTGGTCTTCCCTCTCTGTCTCGTCTCT
CCAGCTATCCCTCTCTCGCTCTGTTCCCTATATTGCTTAGCTGCCTTGGGGTCCCCATT
CAATTTTCGATTTTCGTTTCAGTTGAGCGCTGCGCGTGCTACGGTAAAGTCGAACACTATT
CTCCCTCTCTTTCCGCCCCCTCTCTACCGGCTCTTTCTCCGGCTCCAGTGAAGCGCGAA
>EP77015 (+) Dm COMPLEXIN; range -499 to 100.

ATCAGTACGGCATAGCCTGATGCTAAATGTTACAGGAACACTAACACGACCGCCACGAAT
CGATATCGCGTATACGCTATTCGGCGCAGGCGCCATCTCCCAAATGTAGGCAGCGCTTT
GCTGCTGATTTCAAAGTCAAAAAGTCAAGAAATTGAGACCGAGAAAGAGAGCGAAGGAGG
AAGAGAGTAGAGAGCGAAGACATTGAGAGGGATAGAGATAGAGGGGAATCGAATTATGTA
ACAGACAAAAAATAGCAGTCAGATAAATATATTAGAGAGACAGAGAGATAGAGAAAGGGG
GCAGGGTAGGGTTCTTTCAGTCTGCGGTCTGCAATCTTGCCGTCAAACGAGTCCCAC
CCCCACCATTTGTTGCCCTTATCTATGTGAGTGCCTGTGGTGCTCGTTTTCTCTCGGCAAG
CCGAGCGGGAAAGCACTCAAACCCGAGCCCGAGAATTTTCGGACGGCGCTAAAGCTCGGT
CCCTCGAAGCCCGCTATTCACTGGATTTTCGGGGCCGAGCGGCGGGTCCGCTCCGACGC
CACTGCCTCCGCCAACGCTTTGTAAGGCGCTCGCATGCGGAACAGCGGCAACGAGCCACG
>EP77016 (+) Dm SU(VAR)2-10; range -499 to 100.

TCCGCAAGTGTGATCGATAGTGTCAACTCTAGTCGGCCACAGCGACGACGCGCGTAA
ATATTTTTGTTTCTCCGATTCGTTGAAAAACAGCGGCAATTGCTTGTTTTTATGTGTGG
TGCGCGTCCCAGGCAAAATGCAACGAGTCCGCGACTTCAATTGCCGAACGCCTAACGCCA
CCGTGAATAGAAAAATAAGTGATGCGAAAGACCCGCTCTCAGACGGCTCGCACGCAGGC
GGAAAAATGCCGAACATCTTCGAGCCCCGGGCACCAAGTCGACTTCGTACGCGCAATAGC
AGTTAATCCCTTTGATTCCACCAAGTACAAGGTATGTTTCCGCCAGTCTCAGTTTATTCA
GTCCAAAGAATTTTTCATAAATATGGGGCCATGGTTATTGATAAGCAGTGTGACCGCAG
AAAAAATGGTGTCTGTACCCTTCCCCACCCACGAACAGAGTGATTGCCAGCCAAATCC

GCCGGCGCTTAACAACACTATCATCCGCCATATTTCTTCAGACCGTGCGGACAAAACAAA
ATTCGTGTGACAAAAAAGGGGCGATTTTTGCGGTAGTTTGTTTAAGTGCAATTTGCGAAA
>EP77017 (+) Dm BCDNA LD21248; range -499 to 100.

CCAGCAGACGGAAGAGGTAGTCATCACATGCACGAAGGCCACCTGGTTGGGCTTGAGGA
ACATGTCCCAGGCAATCAGCTTACGCAGCTCGTCCGGCAGGGGGTGACCAGGGCCAGTC
CCTGCAGCTTCTGTGGAGCTTCTCGCTCTGCTCCTTCTTTCGGCCTTCCACGGTGCAA
TTATGGTCCGATCCATATTTTAGCACAGAAATTAAGTAAATATGGCGGTTTAGTTTGAA
GTTCTTTGTTTTGTTGCTGCCAGTGTTACCAAGTGGTTGAATTCAACTGAATGAAGAC
GTTCCCACTGCCTGTTTATATTGACGAAAAATGTTATATAAAAGGGATAAATCTATTTAT
TTCCCTAGGAATAGTAACCTGCGAATAGCATTTGTGTTTTTAAATGTTTTTATAATAT
TTCCCAGATATTTGTTTTTAAGTACAAATTTATTTCCCTAGTTACTCGATTGGTATAAAT
CCAATGACCTGCCACGGTCACACTAGATTCATAGTTCGGAAATTTGTCGGTTGCTGGAGT
TTGTGGACGAATTTATATTTAATTTTAAAGCACTTGGTAATTAATAATCGACGTTTCATT
>EP77018 (+) Dm GEL_1; range -499 to 100.

ATGCAGTGTGACCGTTCGACAGAGATTGGCACAATACCAGATTTTCAGGTGTGGCCAGAACG
CTAAGAATTTAACGGTCGCACTGCGAGTTCAAACCTGCTGATGTGAAAAATTTTATAATTCC
TAATGATTTAATGTCATAATAATTAAGGAACAAAGGAAGTAAGCTCATAACGTTACAAA
AGTTTATCAGAAAAAGCGTATTTTATTTATTAAGTTAAAGCTTAATCTGCGAACCA
GTTATAATTTACGTGTTTCCACAGAATTCTAAGAATAACATATTGCTAGAATATATGAGG
GAATTTAGTTCTTAGCCTGGGAGTAAGACAGAGATGGCAAACTTCATCCGCTCAGCGCC
AGTGTGGATAATGGCATTCTATAGTCTTTTTAGTATATATCGTTCAGTATTTTTGCTAC
TATTTGACTATAAGCCTTGGTCATACCACCGCTTCAGTTGTCTGTGTGTGTGTATTGT
ATGCATGTGATGAAGGTCATTCGCGTGAAAAATATCAGCGAGGAAAAAATCGAATTTTTG
TGTTTTGTGTGCTAGGTAAATGCGAAAAATGTGCAAAGTCGATCGGTTTAAGGCCAGT
>EP77019 (+) Dm GEL_2; range -499 to 100.

TCGATTGCAATTTGTTTGATACTGTTCCCTAAGTGCTTCTATAGGCTGAGAGAAAAGTGA
ATAAAAAGTAGCGTACTTTCAGGCCCATACGAGCACAAGTACATTGTAATTCGGTCAATTT
GGGAAATTCCTATTGAAGTGAAGATAAGGTTTCCAAGAGCAAATATTGATTAATAACTC
AATTTATGGTTTTAAAATTTTTTAAAGTTTCTAGCTAATTTAGTAGCTTGAAGTCAGAC
CTAGCTTCTGCATTTTGTTTTAAATAAAACAGGTGATTTCAAATTCCTAAAGATTCTGT
ATAATGAAAAATGTCGTTTAAACTCGATTTATTTTTCGCCATTTTGTACAGTACTCGTA
ATCGGTCTGGTCAAGATAACGGCCGAACATTTAGATAAGCTGACAAGTGATGTCAAAC
TGAACCAAACTCACTGTGCGATCGACGTCGCTGCCGAGCGAAGGCGGCTACTCTCGTCCG
TTGGTCATGTGTGCGATTGAGTCTGCTGCTGGAATTCGCGCGTTGCTGCTGTTGCTGCT
GTTCTGTTTGCCTCGTTTTGCCCCGTCGTTTGCCAAATTCGTTTGCTTTTTGTGTTCC
>EP77020 (+) Dm DGQ; range -499 to 100.

TTCGGGTGGACTCATATCTTTTAAAGATAAAAGTACATTAAGAGTTTTAAAGTTTATGCA
ATGATATTCCAGTTTTGTGTATAGAGCTGTGTTTTGTCATCATAAGTTTCGGTATGTGAC
TTTTTTATTTCCGAATTAGAATGATATGCCAATCTTCTTATCCATAGACTGCTTGGTCC
ACCCAATAGGAGAACACTCTCGTAACCTGTGGCCAGCGAAGCCATATATTTCCAAAAT
CAGCTTTCTTGCAATTGAACCTGGCTGAGGGGCATTGTGGGGAACGCTTCTCAATCTATT
GCCACCTGGTAGAGGGCGATCCCAGGTCTGCGCAGAGAGAGCAGGCCAGAACTTAGAAC
CAAAGCCAATGCCATGGTCAGAGGAAGTCCCGGGGTAGTCATGGGTAGCCATGGGCAATC
TATATCCGACGTCGTCATCGACGTCGCCAGCTAGTGGGGCAGGCTAGCAAATATGAAATG
TTAATTGTCAGCACGGGACACAACGCGGCGAACTCTCGTTGGGCCAACAACTGTGGTGGT
CCGTAGCAGCAATAGTTGGATAGATCCTACAGTTCGGTTATGCAAGCACTAAATCAAAGC
>EP77021 (+) Dm SAP47; range -499 to 100.

TTAGCTGATAATTGATTTAAAAACTACGTGTTAAGTACAAAAAATGAAAGTCTGTTGCTG
TAAATAGAGATTTACGAACATGAAGACAAGTGAACACTTTCTGAGAAGAGCTCGACTT
TCCAGGAACACAAATGTAATGGAATCTTGTAAACTAACACGGATTAGCTCAGGCGGTTA
GGTATAAATATTTTACTCTCAGGCCAGGTAAGTGAATCGGATCGATTTTAAAGTACACGC
TTCTTGGGGTTTGAAAATAAAAAATATTTTAAAGTATCAACAAAGTTCCATGTCTTGATCTA
GCTATAGCTAAAATTATGCTGATGTAAATAAACTAATGCTGCAATGGGCTTCCAACTTT
CGCAATAGGAACTTGGAATTTTAAATCAGCTGTTGCAGAAGCCAGAGATGCGCGAACA
TATCGGTAGAGCTATCGACCGACAGCAGTCACTGTTTCGATGGGCAGCACTGGCCGAGAA
CAAACCGAAAATAATCATTACTGGTGCGCAGTTGTTGTTTCCATAGACGTGTCAATTGTT
TGCTAATTGCGCCAGCAGCAGCAAAACGACGCCAAAGCACACATGCGCATTCCAGCGCA
>EP77022 (+) Dm CG7611; range -499 to 100.

ATGTGAAATAGATTAAATAGATTTTGAAAGGTGTAAACGGTTTTTCATTTAAGAAATCAAT
TACCAAGTGGGAAATTTGGTCTTAAAGTTATCCATTTTTTCTGTGCCAGGTTTTTAAAGCT
AAGATATGATCAATCACTTACAGGAAAAAATTTTTTTTTTAAATAGAAATAGTTTTTGT
CACAAATGTATTCAACATATTATTAACAAAAAGTTTCAAAGAAGGGCCACCAAATTT
ATGTAAAATTTCTATAGCTGTGCCGTTAATTAATTTAAATTTAATTTATTTTCAAAAAAT
AATAAAAAATCATGTGGTATAGTTAAGTTGAGTTAGAAAAAGTGTTCATTTAAATTTGAA
AAGCATATTAGCGATACGGCCACTCAAAGTAAGAAATCTGGTATTTTTATCGTTCGTGAA

CAAACGAAGTGATTTCGGTATTTTCGAAAGGTCCCACTAAGTGCAGCATATATATAAATGC
GTTTCATCATCAGATTTGTATGTATATTGTGTCAGTTTCGCTTTGTTTTTAATTGCTAG
TCCGTCAATTAAGAAATGCTTTTACGGTGTGTGTCCAATAATCGGGATAACCTTTCCTC
>EP77023 (+) Dm CG31305_1; range -499 to 100.
CAGCATGACAATGTGGCGTTCTGTTATTAGGCCGGTGCTTTTGAACCAATTAAGGCTGCAG
CCAATTGATCGCGCAAGGTGAAGGTGCTTGGGTGCTGGGAGGAGCAGGAGGAGCTGGTC
AGACGTTGGGTGGCAGTAACACGTCCGATCCATTACCAATATGCGGTGTGAGGGGAGTG
GTGGCCCCCATAGAACCGTTAATATTTTTTTGGAGAGCGCCTAAAAAAGCTGCTTTTTG
TAAGAGCGCCAACGGCTTGGCGCCGACATTTTCGATACCTTGGCGGCTGTACTTGGCTTTG
CATCTGGTAATCCGATGCTCAGCCGATGCCACATCATTAATTTTTTAATTTGTGAGACAA
ACAAAAAGGAAACGTGCAAAAGCCGTGCCGAGAACGAGAGCGAATCAATGAGAGCGAG
AGGCCATTAACCTTGCAATGCGTAGCCGCAACGCGAAAGTATATAACAGCCGG
CACGCCGAGAGCTTTTCATTGCTCAGAAAAATTTCAACAGTGAACATCTTGTGCAGAAC
ACAGACCAAATATTTCAAAAAATGTCTTTGTTGGCAAGAAGTACAAGCTGGACAAGTCCG
>EP77024 (+) Dm CG31305_2; range -499 to 100.
ACGCACTTATATAGCTATCAAAATACCTTTATCAATGTGGAATCAATCTTTAGAACTTA
ATATTCATTATTAGGATCGAACTGATGTATGTGTATGTTACTCGTTTAGGATCGTTTAC
TAGATAGATCCACGTATCATTTCTTTTTATTTCATTTCTGATTGATTTTCAAAATAGAA
ATATTTTACTGTGTACATTACTGAGCGCGGGGAGAGTGGATACCGCTGAAGTGTGTTGT
TTACAAAACGCCGACCATTGGAATTACAGTGCGCCCTGATGCAGTGAACATAGAGAAT
AGCGTGCTCAGTCTATCGATTCAATTTATTTTACAAAAAGTTTGATATTTAGAAGAATCT
ACCATTTTAAATCTATTGGGATAGAGTTGTTTCGGACTGCTGACTGTTGGATCTGAAATC
CAAAGTCCGTTAGTTCGGGATGCACTGTATCGCTTTCGCTCGTGCATTGGAAAATGGAA
TTTTTTCGTAGCCCCGATCAGTTGAGATTCAACCGCTGTCCCATCGCCACTTCACTTCA
CCGCTGCCTGGGCTTTCCAAAATTATAATTATTTTCGGTTTTTTGAATTCTAATGTGAGTA
>EP77025 (+) Dm RAB-RP1; range -499 to 100.
TTGTTGCGAAGACTTATTTGGTCTTTTCGTAGTAAGTAAAGTGATTGTTGTTCTAAGTG
TGGATCAGAAATGGATTTGTGATTGAATTCAGACGAAAGTGTTACAATATACCTGTGAAAT
ATAAGTCCATAGCCTCACTCTTGCAATAAACCAATCTTTGTGAGCCAAAGAATGCCTT
TTTCTGGGTGTGATATCCTTGTTTAAATGAATAATAAAAAAATAAACTATCTGGAA
AATTATACCATCTGGCATCTTTATAGATCGTGAAGCTTTGCAAAAAGCAACCACAGTGG
TATCCCTCTAGGAGTAGTATATATTTTTATATTTGAATTAACGCCGCTCTAACTTAAAAA
TCGATTTACCGCCAAACGATCGGAGTTCAATCTAGTCCGACTCGGAGTCCGTTTAAACGG
TTTTCTACGTAGAGCTTTTCGCAAGCTCTCGCTTTCGGATTTGTTCTGCGCAAAAGTT
TTCCTTTTGTTCGGTTCACTTATAAACTGAAATTACTGGAGGTCGGACGTCTCGAGGC
TCGGAATCACTGTTGTTGTTGTTTTCGCCGCTTGGCTCGTGTTGTTGTTGTTGCTTGCCT
>EP77026 (+) Dm CG8177; range -499 to 100.
CAGTGCTATTTATTTTAGATAACAAATCAAACGCAATGATATTAATAGATAACGCAACC
CAATCGCAATCCAGCGGGGGGTCCGAAACGTGTCCCTGTAAGGGTTAAGTGCAGCCTG
CGTACAAACAGTTAATTAACACTTTTAGCACATTTGAAAATTGCATTCCGAAACTGACAT
AGAAAGAATAAGTCACAATTACAACATATTTAAACAAATTATTTAATAAAATAGAGATGC
TTAACGAATACCTTTGTATGTTGAATATCCTTAACCTTAGATTAATGCGGGATCGCCTT
GGATTAACAACAGTTTATAAAAAATTATATAACTATTCGATTAAATTTTATATTTTCATGCT
ACAAATCTTTTAAAGACAAATGTTTAGTTCTTTCAGAAATCGATTTAAGAGAAACAGTT
CAAACTCTCTTCTCTTCGCCGCCAAATTCGCCGTCGATCGCTTCGGTTAAAAACGTGCT
GCGGCAGGAACGTGAAATCATTACGTTTCGGAACGTGCTGCTGCTCGGACGGAACGCAG
AACTGCGGATAAAAGGCGGACAATATTTTAGAGCTCGCCAAGTTCAAGTTTTCGACGA
>EP77027 (+) Dm PABP_1; range -499 to 100.
CACTTCTCGGAGTGTGACTTGACGCTCATCGCTTTATTCTCTGATTAGGTAAGTTTCG
CACAGTGGGGAATTACAAAGATGGGATTTCGTTTTTCGGAGCATACGCTAATATCTGTGCA
GTGCCAAAAAATCATTTTCTAAAAGTCTACGCTCATTTTTTAAAAGAAAAAAACTGCAT
TCCTAATTTTGGATTGTGTTTATGAGACAAAGTATTCAAGGACATTGGCGAAAATATCA
GAACATAAATGAAGCAGAGTTACCAAGAACCCTGAAAATGCACAAGTATTTTCATGTTT
CGGGAATTAGCTAAATATAAAAAATTTTTATGTGTGATGGCTGGCTTTTTTGAATTCAA
AATAATGCTTCGTAATTAGTAAATTGTCCTCACGGATTTTTTAGTGACATTTATTTGTCT
CTAACCTATGTGCGAGCATTGTGCAGTGGGATTTAATCGATACTTTGTGGGTTCATCGC
TAACGAATCTCCTCTATGAGTCGTGTAGAGTCCGTTTACGTGAGCGGTCTGGATTTCG
CTTTCAGCACACGGCTTATCAGATATTTTTTGTGAAGAAAAACATATAAAAAATAAAAA
>EP77028 (+) Dm PABP_2; range -499 to 100.
AAAAATATTAATAACACAAAAACGTAACAAAAAAATTTGTAAGTAGCAAAAAAATCG
AGCGTGTTTGAGAAGTAAGTACAGTGTAAAGCTATTGGTTACAATGGTGTAGAGAGTGAG
AGGGCGCAACGCACGACAAAGCGAATAGGGAAATTTCCCTTTCCCATCGAAATTTGCTTT
GTTTGGGTCTGTTCTTCGCTCAAAGATGGCGTCTATAAACGCCAGATTGCCCCGAAAAA
GTGGTCTAGGAAGTGTGTCGATATTTTCGAGAAAATCAAAGAATTCCTCAAAATTCG
ATCAGGCAACGCGTGTCTATCTTTGTGCTGTGTGGAAATTTTCAACACGAAGAGAAA

TAAAAGGGGAGAGCAAAGAGCAACAACAAAGCAAATGCCAACGTTGCCATGTCTACCGAC
TGTCACATGTACCAAGTGTGGCCACCCAGACACAGACAGAGAGACGAATAGAAGACCGA
AAGCCACGCCGCTTTTTTCTTTCTATTTACCGCCTGCCTGGTGAATCCATCCGGTCC
GTAAAGATTAAGAAAAAACCCAAATTCAGTGTCAAAAAAGTGAAATTAATTGTTAAAA
>EP77029 (+) Dm P62; range -499 to 100.

TTAATTGAAATGTTAAATAAACCAAAATGGGGTGAGTCTTTGCTAAATGCTCAACACA
GAAAGTTGTTTTATGCTTATATTTGTTAAGGTATATTTACTAATCTCCGCACAGACTACG
TTTTGGTAGGCTAGGAAATTAAGACATTTCCGAATATTAGGAGTACGGACCGACGACGA
GATACATTTAAAGTTTCGTTTCAGCAGAATCTTAAATATTAACAACTTAGCGGGCAAGTAA
ATACACCGCGTTTCAGCTGATTATCGATAGCTAGGAAATTAAGACATTTCCGAATATTAG
GAGTACGGACCGACGACGAGATATATTTAAAGTTTCGTTTCAGCAGAATCTTAAATATTAA
AACTTAGCGGGCAAGTAAATACACCGCGTTTCAGCTGATTATCGATAGCAACCAGGTGGT
CACTCTAATAGACGTTTTTCATGCGAGCCCGCTGCGGTACACCAACTTCTCGACCGATTT
TTCCCTCCATCTAGGGTCACTCTAATTTTGGACGAGGTTAGGTAAGACACGCGCGGATG
CCGCGCTGCGTAGGATAAATCCGTCATTAGCATAACCGCATTGAAGCTAAGTCTTCGGGA
>EP77030 (+) Dm CG12428; range -499 to 100.

AATAAGAATGTGGTGACTAACGGTATAAACAAATGGTGTAAAAAGTCTGGCAACTCCTGC
AAACAGCTGTTTGCTGTGCCAATTTCTATAGGGTCTTCGCCGCTTGTAACAAAAACGC
AGCAGTATAATAATAAAAAAATTTGTTTAACTATAAAATTTGTTTGCTTATCTAGCCTAA
TGAACCTGATAGCTGCGGAACCGTTTTAATTTGATCGAGTGCATCGAACTGAAGTTC
GGGCGCGACATTCAACTGCCGCTCATCGAAGGTTTGTGTGGGTGTGTCTGCTGGAATAT
GTTATTAATAAGAAATTCATATAGAAATTCAAATGAAACCGGCCATTATCGGTGGCCGA
CTGTCTGCAATAGCAATGATTAGGGTGATATATTATCGCACTGAGTCAGTGGACGCGGGT
GGCGGATCCACGGTGCGATAATTCAAGTGCTCCCCCTCCGCAAGGTTTGTGTGATAT
GGAACCAACCTATGGATTAGTCTGATAACGGCAGTCTGGCGCTTCAGTTGTCTCCGGCA
AAAGTGAATTCCTCATCGAGTACAAAGGTCAAGTGGGCTAGAAATTCGCCTATGATTTAC
>EP77031 (+) Dm CG5174; range -499 to 100.

AACGTAAAAATACAACTATATCAAATGTATATATTTTCTATATTAACGGACAAAATCA
AATGTAAGAGTCGACGGCCAAATGGCAATTGCTGTCTGCAAAACAAAATATTTTCATTAA
CAATTCGATTTCTAACTATAATTTTCAACCCAGATATAGCAGATACAACCGTATGTCTTA
TTTCTTTTGAATACAAAAGTTTTAAACCGAACTTTTCTGTTTGAATAAAGGCGCGATC
TGGCAGCTCTAGGTAGTGGTGTACAGCGTCGATAACTAACTTAGTTTCTCACCGAGCTG
CAACAAGTTTAATTACAATCGATAACGAAGATTGGAGCTTTTAGTGAGTAAAAATTTGACC
CATTTCTGTTGTTTGAACGTTTATTACGCATTACGTATTTACTTAAGCGATTTTGTGAAT
TTTTTGTGTGATGTTATGTGCACGAGAGATGGAATTTTTGACCGAAAGCTGCTATCGATA
GTGACATTCCTTCGATTTATTTTAGCAACCATCGATAGCTAAGCAAGCGAAACAAAAAAT
TATTTTCAACTTGAAAGTTTTGCGACAAGTGCCTGCAGTTGGCATCGAAATAGTTAACAA
>EP77032 (+) Dm EIF-5C_1; range -499 to 100.

CACTAGTTTCTCTGGTATATTGACCTGCTCAAAGTTCATTTGGCTTTTGGATAATGTAAA
TATAAACTAAAAGTAAACAATGTCTATCGCCGCTTTTCAGGTGCGCAAAAAAAAAACAGTT
AAATTTTCTTACTGAGCAAGTAAGGCGCGATGCCATATTGTTTAAATAGCTGACAAATG
GACACCTTTTCGATTTTGTAAAGTGGAGGAAAAATATATAATATATACAAAGGCGTATT
TTCGAAAATAAACTCCTCGCAACGCTACTAAAATGGACTTAACTTAATTTGTTGAATTTG
TTAAGGTTAAATATGAATTTTGTAAATGCAACATGACTTTTGTGGAATCTTTGATTCCG
TTAAATGTCCGGCAGCGCTGCACCATTTTCAGGTCCGGTTAGTGGGGCCAGCCAACAGCT
TCACCAAAATGTTGCCACCTTTTGGACACCTTAGTGAGCTCTGTACCATTTGCGTACGAAG
CAGGCCACGGTCATACCGCAAGTCATCCAGAAGAAGCAGCCCAACAGCTACGCAAAAAGT
TACTTTTATTCGAGCAAAACAGATTTTTTTGTTTTAATCGTAAGTATAGGAGTGAAAAA
>EP77033 (+) Dm EIF-5C_2; range -499 to 100.

ACGCAAAAAGTTACTTTTATTTCGACGAAAACAGATTTTTTTGTTTTAATCGTAAGTATA
GGAGTGAAAAATAGCGCTAGAGTAGACCTAAGTACACAGAAAGACAAATAGGGCGAGTAA
AATCGCGGTCTGGTCATTTCTCTGGCCTTGACCAATCCTTTGTCTGCGCTTTCGTTGGA
AAAGGGGTTATGTACGAACTGCGTGCGTACCTAAGGCCAGATTAGTCATCGGGCAGTCAT
ATATTCATGCAAAAAATCATTGTTGGCCGTCGGCCTTTGTTGACTGTACCTTGCTCAT
TATTTAATAAGCGCGACAGCAATATACACACTTTGAACCCCATCCCACATTTTTTCTCA
CCGTTTCCCCCTAATTTTCTGTTTCCCTGTGCCCATCATTCGCTTTTCGCCATGTCAGTG
TATCGCTTCAAAATGGCGCCGAACCATGTCTTCGTTCTCGGCTCGTCCGCTTCGTTTCG
TGGCTCGTGTGTCTCATTCGCTCTCCGAATTCGTTTAACAAAGTGGTGCGAGCAG
AGGGGCGCTGGATTCGAGGCAAAACACATATACCTAGTAACCGATTGTGATAGCTGTT
>EP77034 (+) Dm RPS9; range -499 to 100.

AATAATTATTCGGAATAACTGATAAATTGGTTTACATACTTAATAGCTCAATCTAATAAA
GGTCTACAGTATTTCTTACATTGGAACCTACATCTTAAATGTATTCAATATTTGACACAAC
ATTGGTATACGTATACGTACTGTATAACACTTACATTGAAATTACATTTTCATGCAATATA
CATTCGACACAGCACTTTAGGCACATCATTAGAAAAGACGCCACTTTGAGAAGTTGAAG
TTGAGAAGAAGAAGTATCGTAAAAAATTAATATTTTCCGAATGGGATTGTATTTTAAC

TAATTAAGTTTCTTATTTTTTCCATACATTAATTACATTTAAACTTTTGCTT
AGTTAACCACCTATAAATTTTATAATGTATAATTACATGTCAAATCTCTAGTGGTAGCG
ATAGAGTGACCGTTTAGTTTCCGTGGTAGGATTATGTGTATTTCTATCAAACACTTTGGT
CACACTACCTTCACCCCTCTTTCTTTTCTAAACGTGAGCAAAACCGTAAGTACAAAATA
TGAGCTCCGCAAAACTTTGAAAAAGTACATGATAATGTTCAAGATAAAGAACAATTCG
>EP77035 (+) Dm WUPA; range -499 to 100.

CGAACTGCAGATACGATATTGTGAACACCGATGCGGATACAGAGATACAAAGATTCTCCA
AGCGGTATTTTTCATAGGGTGGTTTACGGGTCTGCAGTTCGACGGGGCGGGAGTTACGG
GATCGGGATCGCAATCGCAATCGCAATCGCAATCGGATTCGGATTCGGAATCGATTCGGC
ATGCCACTCGGCTGCGACGATCGTGAGCCGAACACTTTTCGGTATCCATTTTCGATTTTGC
TTATGGGCTGTGCTCTGCCATGTCAGTTTTGGTGGGATCTATTTTGGATCTCACGCCCCA
GATACATAACCCCGGCCCCGAGCCACTCTCGCTCTCTCTCGCTCTCGCCGTTCTGTGAA
GGACGGTGGGACGGTGGGCGGCTAACGTTTGGCTTTCGGAACATAACGGAACCGAGCCGA
ACGAGACGATGCGATACGATGCGATCCGATCAACAACGATCCGATCTGTATCCGTTGGG
TGGCTAGCCGCTAGAATATAGTCTGCCGTGGATCGTCGGACCGTTTCAGTCTTTTTGTGTC
GTTTCAGTATCATCCGATTCGTGTGATCGACAGCATAGCCGAATTTTTTCTTTTTTTC
>EP77036 (+) Dm CG30190; range -499 to 100.

TACCTGCGTGTCTCGCAGTCTGGTGCAATTCTGCGCCATTTTGTCTGTTTTCGCTCTTA
TTTCGCCAAATTTTTGCGGCTTGTGATTTCCCAATCGAGTCGATGGTGTGGCTGCAAG
TTGAGATCGTTGAAACGTTGGCAAGCAAAAAGCGGCCACTTGCAGTACGGTCACTTTC
AGGAAACTCACCACAAAACTCACCACAAAAAATCCAACAACATATACAATACAATCTG
ATTTAAATTTTCATAGATGTTCTTTAAAAAGAAAATGGGATAAAATCTTATATAAAAATA
GTTTTCTCTATAACTAAGTGAATTTGTTAACTAAAAGAAACCACTTAGCTTGAAT
TAAGTATTCACCAATCTTGTCTTAGCGTTGACCATATGGCAATTGCACTTTGTTGGTAT
TTTTTCAGACGGTATTTTGTGTTTGGACAGTATGTGCGAGAACGAAAATTCAGCACATCG
CTAGCGCAGCAGCCTTGTGTTGTTCTGTCTGTCTGTCTTACAAGCGTTTCTTTTTGTT
TGCTGAGAATTAACAAGCGATTTGTTGCGGGCAATGCGAATGCATTTGCAAAGCAG
>EP77037 (+) Dm CG5522; range -499 to 100.

GGACTTTCATTTGTTGGCAAAGGGTCTGGTATTTTGGATCATGGGCTACATACATATGTAC
ATTTTTGGAATTTAAGATCGAAGCTTTAAAGGGACATTATAATCAAATTTTCGATTAAC
TTTTATCAATGCTAACAAGTTTCAAAAAGAATTTAAAAAATTATCAAGACTGAGTTTT
TTGGCCATACGGCTCGAGTCAATGCTACATTGTTATCCAGGTTCCCAACCAAAATGTACT
AATAAATTTCAATTATAACTTGTCTATAACAAGAACATACAAAACAAATTTTAAATTAAT
ATTTAAAGAAATTTATTTGAAAAACAGTTTTAATAATGAATATCTAAGTCATACACTGAGA
TACATAAAAATATGGAATGGAATCTGATTAATTAATGACTTTAAAAAATATATTTAA
GAAGCATATTTTACCGTTCGACTTATATTAGTACATTTTCGTGAGTGGTATTTCAAGCCA
AAAGCCACACGGTCACACTGTACGTTGGCGTCGGCGTCGCGCGGATCGTTTTCGGCTA
ATTCGCTGCTGAATTTTCTGTTCTCGAGTTTTAAACAAACGAACGAAAGGTGAAGCC
>EP77038 (+) Dm HMGS; range -499 to 100.

TTCTCACTATCTTCAATAATCTACAAGAGATTTGCGCACTTTTCTGGTCAGCAGACCTA
CTGCGATGTAGTAATCGGTCTTTTTTTTTCGCGGGGGGTAACTTTTGCACTTTTCACGGC
GACGTGGAAAAACCCGCCGAATTAACATTTCTTACGTTGGCACTTACTTTTCAGCGAAT
ATGGTTGATTGTAACGAAGCAGGTGTGCTTTTTGTGCTATTTGAAAACAGCAAGTGCGT
TTTTCTTTGCCAAAAAATCAGCGCAATCGACCGCGCCACCCACAAATGCGAACGAAAT
TGTGTGGTGAGAAAAGCGCTGGCGAAAAAGTGACAGTTCACAATGCCACGAGATTCAC
GTGATGGCGCCAGTGTTGCTTAGCCAGCGAGCCAAACAGCTGACTCCGCCAGCAGCTGTT
CCAGCGCCGCGCGCTCTCCAACACTGCCTGCGGCTAAGGTGCCGCAGTTTCATTGCTTAA
TTTTATTCCAGATTAGTTTAGTTTAAACATATCGCCCGCCCTGGACCATTAAATATTAGC
AAGTAAGTTGATTGCGAGTGCGAGTACTGTTCTGTGCTGCGCTGGATGAGGGCTGTGGGCG
>EP77040 (+) Dm EG 115C2_1; range -499 to 100.

AAGTGTCGCTGTTGCTATTTGCTACCGCGCTCCTCTTGACGAATAAGTCGGGACTTGTA
TCAGCTCTAATTCGGACTTAGTTTACAAAAATGCGGCTGCTTTTTTCCGCGATACTCGGA
TTAGTGATGTAAAAAGACGTTGATGCTTCGACCACTGAAGTCAGTGCGATATGTATCGAT
AATTGAATGCCATCGATTGCTACGATTAACACTGCCACCGCAGTTAGCGGAGACGCTCAC
CATTCTCTATTGCGCAATTTGAAAGTATCGGTGTAATTTGTTTTTTCAGAGAAATTAATTTCC
GTTTACTGTGCAATTCGGTGTGAAAGTGTTGAGATTTATCAATGCGTATTCTGCTTTTCA
CTTCGCCACCAATCTGTGCTGCAAGTTACCATTACCAGGTCCACCTGGTTCGCCGAGTT
TTCTTTTCATTGTGGCTAGTTGTTGTTCTGTCCTTCGATAAAGACGTTTAGAGGTGTTTTT
AGAGTTTTCGCCATCTGGTCACTATAGCCGTTTCGTTTTTACGTGAGTATTGTGAATTTG
GTGTGTTGATTTATATCTCAGTTGGAGCCTGCGTGAAATAGTGTCAGTACGTTTAAAGG
>EP77041 (+) Dm EG 115C2_2; range -499 to 100.

TCAGCTCTAATTCGGACTTAGTTTACAAAAATGCGGCTGCTTTTTTCCGCGATACTCGGA
TTAGTGATGTAAAAAGACGTTGATGCTTCGACCACTGAAGTCAGTGCGATATGTATCGAT
AATTGAATGCCATCGATTGCTACGATTAACACTGCCACCGCAGTTAGCGGAGACGCTCAC
CATTCTCTATTGCGCAATTTGAAAGTATCGGTGTAATTTGTTTTTTCAGAGAAATTAATTTCC

GTTTACTGTGCAATTCGGTGTGAAAGTGTTCAGATTTATCAATGCGTATTCTGCTTTTCA
CTTCGCCACCAATCTGTGCTGCAAGTTACCATTACCAGGTCCACCTGGTTCGCCGAGTT
TTCTTTTCATTGTGGCTAGTTGTTGTTTCGTGCCTTCGATAAAGACGTTTAGAGGTGTTTT
AGAGTTTCGCCATCTGGTCACTATAGCCGTTTCGTTTTTACGTGAGTATTGTGAATTTG
GTGTGTTGATTTATATCTCAGTTGGAGCCTGCGTGAAATAGTGTCAGTACGTTTAAAGG
CATCATCGTAAGGTTAGTCGGAACAAATAAAAAGCCTACAAATAGCAAGCAAGAACGC
>EP77042 (+) Dm CG11266; range -499 to 100.

GACGCGTAACGATTATACTTTGCTGGCTGGTGGTTCGTTGGATCAGCTTACGCCATC
CCCAGCGAAGACAACGCCTCTCACCTGTGGCTCACCTGGGGCTCTATCACTAGCTGGCCA
ACGGCTGTTTCGCTTTGTTTTTGGCTTATTTGGCTAAAAGATGATGACTCAACAGCAGCT
GTAGATGCTTGTACTCGCTTATCTATGCGAATCGGCCCAAATCTATTCAGCAGGCTTT
CGGCCAGGTTGACTATGCTTGCAAATTTGTAATCAACTGGTTGCATGCTGCCGATTAAT
TGCCAGCCTTAATTTTGCTTATGTTTACCAACAGAAATTTACTGTATTTGACGTGATGG
TATTTGATTAGAGATGTGACATCAATTCCTCATAGCAATACTTAACGATGTTTTCTCGGT
ATCGATAGATCGACGTTTTGCAAAGCACTTAAAACTTTTTGAAGTACGGTCACTAGTTA
TCGATTGTTTCATCATCGATAAGTTCTGTGACAACCCTGAAGCCGAAAAACAAGCAGCCACG
CTAGAGAAGAAAAATCTGGTTGAAAATTGGCAAAAATTTCTAATTAAAAAATCGCAAAAGCC
>EP77043 (+) Dm SGG; range -499 to 100.

TTAACCCGTATTTTTCCGAGTGTGTGTTTCGTTTTACCTTCGCGTACTTATAAGATGTTG
AACTTTTTCCAAGATTTTACGACGCATATACGTTATACAATATTTATAAATATTAAT
CAATTATAGGGCAATATGTTATATAATGGTACAACAAGAAATGTATTATTAGAGGGAAGT
GGATGTCGTTTTTGGTGGTTCCAATAAATAAAAGTTTTCTTCAGAAATTATGCATTGC
AATTGATGCGGTTGTTCTATAATATAGCGTTTTAAATAACAGCACTTAAATGACATATT
GAAAAAAATTTGAAAAATATTTTATACCATATTTGAATATAAAATGTCATAGTTGTTACA
TATTAAGCAATTAATAAAATAAATTTTCAACTGTCGATAAATATTGTATTTCGATAACAC
TCGATAACAACGTGGCAAGCGTCAGTATTAATGGCATTCTCGGTATTCGTGAATGCATT
GCGCTCATCTCCTTTTGGTAGTTTCTTGCGATTTCTGCGCACGGTCACGCTTTACAGTCG
GACTAAAAAATATACAGATCTTTTGTGTAAGTAAAAAATCGAAAAGTAAAAATAGAAG
>EP77044 (+) Dm FTZ-F2_1; range -499 to 100.

AAAGAGCCCAGCCCAGAAGTTGCCCTTACAACAACAAACCTACAATGCACTTCTACAGC
GGCGGGAAAAATGCGGGGGATACAACAAATCATCAACTGTTGCACACCCGAACCGTTGCTG
CTGTTGTTGTTGTCGGTGGCTTCTAGCTTTTTTTCAGCGTGTGTTTTCTTTTAAACCCG
TTTTGCTGGAATTAATAAATCAAAAGTCAAAGGCGCAAGCTAGAGAGCAACAGCAGCT
CTCTTGCTCTAGCGTTTCGGGCTCTCTCATTTTTTGGAGACTTGGGGACCAAGCGAAAAGTC
TCCACGAACCGCAGCCCTATTGCCTGTTTGTGTGCGTGTGTGTGTGAGCAAGAGCGTTCC
TTTCGAGAGAGGAGGATTTGCCGAGTTGTGTGTGCACGAAGTAGAAGAAGCAGCGCTGGC
AGCGACGCCGACTGCGCTGCCTTGGCGCTCGGGAACCTGGAGCCAGTTGCCGATCGGAT
CGCCAGAGGATCGCCGCTCACTCAGTGTATTGGTGTCAAGCAAGACGGACGAAATATTGC
CGACGACGCGCCGCTGCCAGAAAGAGAGTTTCTTCCGCTCACGCGCGCCCCCTCTCTAC
>EP77045 (+) Dm FTZ-F2_2; range -499 to 100.

TTGGTGTTTCCAACGAATAAGTTTAAACTTCTAATACAACTGAATAAGGTGCTTATAAT
GTTTATTTAACATACATATAGTGATAGTTTCAGAAGAACATAAATTCAAACCTAAAAATAC
AATACGTACAAATATGTAATCGTATACAAAACAGTGACGAGGAGCGAAAAATGGAAGGCTG
TATAGTAATTTAGGACCTTGATATGCGATATCTGCGATATAATCCCCCAACCGAAGAA
TCCGCTCTGTCTCGCTCGCTCAGTATATCCGCTCTCTTTTAAAGGCGTACACGTACCCAA
AGGGGGTGTAAGCAGAGCGTATGTGTCCGTGTCCCTGTAAAGTGATCTCTCCGCAGGC
AACCGCCACCCCTAAAACATCCGCTCTTATCAGGCGCAGTGTGCGTGCCTGTATGTGTG
CGCCTGGGGAGGGGTGTGAGTGAGCAGCGGATGTGCGCAGAGCAGTCGGCTTCTGCGT
CGAGGACTTTGACTTGTTCAGTCTCTCGCCAGTCTTTCTCGAGTGAGGACGTGTCAACTA
AAATTGATCCTCTCTCCGCACTCGCTCTTACTTTTATTTACACACAACGGTAAAAA
>EP77046 (+) Dm HTS_1; range -499 to 100.

CTACGGCGAAACCCAAACAGGTTTGGTAATTAATGCATTCTTCTGGCCTGGCTCATTCCC
GTGACCACCATATTTTCGTAAGAATAGTATATTCGTATAGGCACCTTGATATTTCTAAT
ACTATATATATTTGCCATTTTCCAACGGACCTTGATTGGTCGAGAGAACGATTTCCGAA
TCGAATCACGCACTTTCACTCCCCAAAATCACAGCACAAATAAAGTAACGGAACACG
CACCTTCACCGCACGGAGATTTTACTCACTACAAATATTTATATCTGTAGCTCAACACC
TGACTGCTATCGAATGTTTTGGTATTTATTTTATCGAAGTATTTTGCCGAAATTTGTGA
TTTGCCAGCCCTATTTCAATGTAATATATCGATAATCGCCGATTTTACTGAAAAATAT
TTCGATAAGAGCATCGATATTTCAAACAAATATCGACCCATTGACATGCGTCAGGTTTGT
CCATCCCTAACAAAAATCGTAGTACGAAATATCGAAAACGAAACACATCACGCGGGCGAAA
TTTCGTGAAGTTCAGCATTTACAAATTTGAAGCAGTGGTTTTATCGAACCCATTGACCAA
>EP77047 (+) Dm HTS_2; range -499 to 100.

CGTATAAATAATATGACATAATCGACGTGTGCGGCTTAATTGACATAGTTTTTGTGCGAA
GAATACCTAAAAGTGCGAAGAGAGCGCCAAAAAAGGCGTTTTTTGTTTGGTCAAGGTG
GCAAAAAGGACTTGACCGCTATTTTCCCTGCGCTTGTCTCCAAATATTCGTTCTCTCC

CATACACTCTCTCGCACACACAAGCGTGTATATTTGGGCGTTGCAGGATGAAGAACTC
TCTTTCTCTCTCCCACTTTCTTCGCTCTTCTCGTATTCTTGAACACTTTTGCGCA
ATTTGAGTGATTTGCAAGGCAAATAATGCTTTTCGATTGTTTACCGAATTTAGTTAACCC
CCGTTTGGAAGCCAGTTTGTCTGGAAGTTACTTCAGTTTAGTTGTTTTCAACATCTCCAC
TTGACGTTGCCTAACACTGCCCGCCTCTCTCTCGGCTTCTTTGCCACTGTCCGTGCG
CAGTTCTCTTTTGCCTTCATTCTGCTCTGCCGTCGGACGTGTCCGTACGATTTTGA
TTAAGTTCTCGTAGGCAATTCAACTGAAATATTTATTCGCTGCGGTGCAACTAAAATTT
>EP77048 (+) Dm CG17238_1; range -499 to 100.

TGGGGGAGTTGGAGTAATGAAATGATACATATAACCCATCTGGTCAGTCCATTTACCTT
AATCCTACAGCACAGCTCCAACCTTTTCTGAGGTCACCTTCGCCTTTATCCCCAAACAG
GCAGATCATTTGGCTCTCTTCGAAATCGCCCAAGCAGATCCTGCATTGCAGAATCACTGG
CAAGCTGGCCATCCTGGCTAGCGTTTTTTTGAAGGGGGCTGGAAATTAAGGCTAATTTT
AATTAAATGAGTTTTAAACAATTTTAGACCTGCGCTGTGTGACCGCATTTGCCATGAAAA
AAATACCTACAAGTGTTTTAAATACATTTTCAAGTTTAAAGTTACCATTAAGCCTAACTAG
CTATCAGCTACGAAAAAGCTAAAAAATACTGAAGCCCTTCAAACTATTTATAGCG
CCGCCACTGCATCTGTGGTATTATTAGTGCTTTTCAATTTTCGAGCCGACGGCGTGATT
AGCGGCTCGGCGGACGCCACACTTAATTCGCCTTTTGAAGTGAACGAACGTGCCGCGGCA
TCTGCAATTTTCTGTGCATTTCCACTTGCATTTTGTGTGTTTCACTTTGTACGTGTGTG
>EP77049 (+) Dm CG17238_2; range -499 to 100.

GAACTATTACTATTTTTCTGCTTTTCTAGCGCTTTTGAATGGCAGGCATAACTGAAG
CATATCTGCGCACACTTCTCGCCGGTGGGGCACATAAAATGAGATAAAATAATGCAGAAT
GTTAATCCCGCAAGTGCTTAAACACGGCTTAAGTATATGTTTTATTTTCTGCTTCAGTTC
CTGGCGTATTTTAACTTTTTTGTGACCTACAAGCGGAGTGAAGAACTCACCACGAGTTG
GGTTCTGCCCCACAAGTGAGAGATAGAGAGAGGGAGAGAGCATGGAAGAGAGCGGGCTCC
AACTCTAATCAGCATCAGCTGTAGTTTGTGTTTTGTTTGTATGCGCCACATGGCGGGCACT
CACTCTCTTGCGCTCCCGCTCTTCCCGTGCAGCTTTTGCCTCTGAGTGAGTTGGGTT
TCGGTCGTTGTTTTGGATCGATAAAACTTCTCGCGCTGCCGTGGTATAAAATGCTTTTC
ACTTTTCCCACTGCACTTTAGTCGCCAGACATTTATCGAAACGTGCACATCACCAGCGGT
CGCACACTCAAACATATTGCATATATATATATATATATATTGCTATCCCAACAAAA
>EP77050 (+) Dm DRAB5; range -499 to 100.

TCTCGCAATGTTATTACTTCTTCTATTCACTGTGCCCGTGCCTGGACCCCTGCAACATGA
CAACAGTCTGCACCGATCCAATGTACTTAAAAATACCAGGCAAAAATGATAAAAGTG
TATACGATAGAGCGTGATAGATAAATGTGACTCACTAGTAGATGGTGCCTGTATTTGCTA
AGAAATAATTCAGAAAGAAAAATTAACAATAATTCACCAATGGAGCCGGTTCTGCAAGCT
CATTGATTACATAAAATTCATAGTAAGACAATTATTATGTAAATATACCCGTTTTACGAT
TCATTAGTTGACTCGTGCAGCAAGAAATATGTTTTGTATATTCACGGTAAGAAATGTTT
ATATTAATAATTTTATTTATATTGTGTAATATGTTGGTCCCACTAATCGATAGAAATATGT
ATCGTTGGTTGGAGCCTCTGTAACGAGCAGAGCTTAGGATATGTTTGGCATATTTCAAC
AGTCGTCCTGCGGTACACATAAAATTTCCAAGAAAGTTGAAGTTAAGTTTACTAATAAA
CCAGGCGATAATTTGCTAGCCATTAGCAAGGCAAGGAAGCTAAAAAGACAAAAATCTT
>EP77051 (+) Dm RPS12E; range -499 to 100.

AGGTTGTAAAGTTCAAGTTTATAACAAAGAGATTAAATGTACTTCATGTGCACTGCGCAA
AAATTGCACGAATTAGAATAGATTTCTGTAGAATATAATTGCTTTCCAAATATAAATCTT
TAAATTTAACACTTTTACAAAATCATGTAAAAACAAAGTAATAACTGGAACAAGTGGCAA
GGACAGATTATAGATGTATAGATAGATTTCTGTAGCAACATTTCTTCTCTTAAAGATATA
ATATAATATATACCAGAAAACCTGGGAAACCCACTCAAGCTTATTGGGATAAAAAAAATC
ATTTAATTAGAAAAAGTTTCATCAGAAAAGTTAAAATATTTAAGAAATCTAAGTTAAGATA
ATGTCATAGCAAGTAAGAAATTTGGCATAAATTTCCATTGCACACCCTATCGATCGCGTC
ACTATGCAGCTCTGCGAAACTATCGATTTTGTACCAATAGCTAAAAACTCACATCTCCA
GCGCCATGCGGATTTTGTCTCTTTCTTTTCCGGTTGTCAAAGGTACAGATGCTTGGATT
TTATTTCTCCGAAATGAAGAGTTTTCTTATCGAAAATGTAAATATGAACAATTAAC
>EP77052 (+) Dm NMDA1; range -499 to 100.

CTTCAGGGTGGCGCATTTCTGATTTTGTGACGTCACATGTCCAGCATCCTATGAATTAAG
TTGCGCTTAGCTAGTGCTGAAAAATAATATTAGTAAATAAGGAGTATAGTATAGTATAAG
AGTTAGTAAGTGCAGAATAATCTAAAAATAATGAGCATAAGAAAATCTACAGAAGTGCC
GTAGTTGAGAAGCTTAAAAACAAAAGCATCTGTAGCATTTCTCAACATCTGGTGAAGCA
TTCTTAGTTTAATTACAATACTCTGTATGTTTTAAACATATATAAACGATAGTATATAAT
TTACAGAAAATGCGCCATAGTGTGGTACGTGTCAAATAAAATTTAAACGCAATAATGTTT
AAGCCGAGTTTAATGTAGTCTGTAAATGTACCACTTTCTAAAAAAATTAGTTACACCACC
ATCGATAATTACAGCTGCGTTCCGATAGCAGTCAGCAGGCACATCTCTGTTAATTTATAG
CAAAAAAATAAATAATTCAGAAAAACAACATTCAATTGTTTGTGTTTGTATCAAAATAG
CAACGTAATCCAGAGGTAATTAGTCATCCAAAGAGCATAATTTGAATAATGGGAAGATAG
>EP77053 (+) Dm PAX; range -499 to 100.

TACCTTTTCAATGCGAATCCTCCCTTTCCCAATTGAGAGGACGCTCAATTAGGCGTCTA
CTTAGTTAGGCCGAAGCAGGCAGAACCCGAGCACGCCCAATGAAAAATGCAGAGTTTATAA

AAGAAAAATTAATATTGAAATGGAGACTCGACAGACAAGATCCGCACAGAGGCAGTAGA
GAAACCCCTTGGCCGCCACTCCTTTTCGTTGTTTCGTTTCATCGGAAAAAGTTCTTTTCGTA
TTTTTGGCAATGAACGAAAACTACGTCAACGTAGAAGAAAAATGCTTTGCATATGAGGAG
AGCGTCGTGCGCAACGAGGTCCACATACACACACACACATATAGCTATATAGTT
CAGTCAGGAGGAGAATCTGTGCGAAGAGGAAGAGAAACATTATTTTTGATATTTTGATTC
TTTTTTTTTGTTCGTTTTTCGTGCGCAGTGGCGGCTAAAAGCAAAAGTTTTTGTGCTAGCG
CTCACACAACTTTTGATTCAGTCGAGGCAAGCACATCGACGTAAGCCCACCGCAACAGAA
TCCGAAGGATATAGCATGCTAATTGGAATCGTTATCCCTCATTCCAGGTTAGCAACGGAA
>EP77054 (+) Dm DRK_1; range -499 to 100.

GAGCTTCTGGCGGGAGACCTTCGGGTTGGATTCCCTTCAGCAGTTCTGCGGGCTTCGTGTC
CAGCCGCTCCGGACTCTCCAGTTTGGGTGCCACATTTTCTGGGTGAGAGCAGCTTGGGC
CGCCGCCAATTGCTTTATTTTGACGGGCGTCGGGCTCACGCTGATGATGCGGTTCTGATA
AAAACAATCCTCTCGTTTTTGGCGCGCGCCGCTGCAACCGATCCCTGTTCTCCTGGCA
GTGATTGCGCGGACTCAGCACCAGCGATTGCTCCTTGACAGTTCTTGTGGCGCTGCAT
GGCGACTGCTGTGACGGATGGGCGAGTCAAACGAAGTGCCGTTGGGAATGAAACGTA
ATGCTGACTTTTCCGGCGAAGCGTCTCCTGTTTTGATTTTTAAAATGGCGAAGCGTCTTG
CGGTGTGACCAGGTGAAGGAAAACTACGAAAGCCCTGCGGTATGCCTCTCCCACAGTGT
GTGTTTCAGTATATTTTCTTGAATAATAAAGCGACCCGGCCACGGTCACGCTGCTATGAA
AATAAAAGTGAATTACAAATTTAGCAGTAGTAATATGTTAGCCAAACCGCTCCCGCGCCT
>EP77055 (+) Dm DRK_2; range -499 to 100.

AGTTTGGGTGCCACATTTTCTGGGTGAGAGCAGTTGGGCCGCCCAATTGCTTTATT
TTGACGGGCGTCGGGCTCACGCTGATGATGCGGTTCTGATAAAAACAATCCTCTCGTTTT
TTGGCGCGCGCCGCTGCAACCGATCCCTGTTCTCCTGGCAGTGATTGCGCGGACTCAGC
ACCAGCGATTGCTCCTTGACAGTTCTTGTGGCGCTGCATGGCGACTGCTGTGACGGAT
GGGCGAGTCAAACGAAGTGCCGTTGGGAATGAAACGTAATGCTGACTTTTCCGGCGA
AGCGTCTCCTGTTTTGATTTTTAAAATGGCGAAGCGTCTTGCGGTGTGACCAGGTGAAGG
AAAACACGAAAGCCCTGCGGTATGCCTCTCCCACAGTGTGTGTTTCAGTATATTTTCTT
GGAATAATAAAGCGACCCGGCCACGGTCACGCTGCTATGAAAATAAAAGTGAATTACAAA
TTTAGCAGTAGTAATATGTTAGCCAAACCGCTCCCGCGCCTAATTAGTGTGCTTAAGCT
TGCAGCCACCCTAGCCCTTTGAAATTGTAAGCCCGCGCGCCTCTTGCACGTGCCAGAGA
>EP77056 (+) Dm DRK_3; range -499 to 100.

GTGAATTACAAATTTAGCAGTAGTAATATGTTAGCCAAACCGCTCCCGCGCCTAATTAGT
GTCGCTTAAGCTTGCAGCCACCCTAGCCCTTTGAAATTGTAAGCCCGCGCGCCTCTTGC
ACGTGCGCAGAGACTCGAAAATAGTTAGCCGCAACTTACGCATATAGAAAATATAAGCGCCG
CGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTTATTGGGGTTACAAAAAATAAAACAAACAACAACGTCA
CCGCGGCAGCATTGCCAACAGCAAGCACCCACGCCCTAGATTGCCAAATGTTAATTGTGT
TCTAAGCGACACATTTTCATATTATTTAAGGCAAACTACTTCGCATAACAACAAGTAATAG
CCAAACATCGTCTAATTGCTTTTGGCGTACCTGCTTTTCCCGGAAATCCAAATCGCAAG
CTGCTGGCAACGCTGCCACGCTCACGCACACACACCCACACAGTGGCCGCGTGGAGAGA
GCGGCTCGTGTCTGTGTTCTCTGTTGCTGCTCCGCTGGGAATGTCGTGTCGTGTCG
GTGATTTTTTAATCGCTTTCTCCCTTGCCCTTCGCACAAGATATATTATTATTAACCGAA
>EP77057 (+) Dm CG14399; range -499 to 100.

TTGAAAGCCTCCTTCACAGACAAACCAACGTTTCGTTTCGTTTTCTGCGAGTCTGTTGATC
GTCCTTATGCCAAACATGTGCGCTCTACACTCTCCACAAAACTGCCGGCTGCACTTTTG
CCCTCAACCAAAAAACAACGAAATGTGCAACCTCATTTTTAGGGACTTGTAGATTCTAC
TCAAGAGATTATTGGAGATTCTTGCATAAAAACTATATTTCTATGTGAAAACTCAGAGA
TTAAGACTCGATATAGTTGTAACCTTAAACGAACAAAGACCATTTAATTTTCAAATGCAA
CAAGTTTTTAATATCTTTTGAGCAACTCGAAAATTACTGGAAAAGTGGAAATGTGCATTT
TTTCTCGATTACAATGACACACCTTAGATTTAAAAATCCCGCCCAAGTGTGCGAAAC
GCGAAAGGGGACTTATCGAGCTATCGATTGCAAGAGCTACGCATTCCCATCCCTAAATTC
CGCAGTACATTCAAACACTACTACGTTGTGCTTCTTCTTCAAACGCGGCATAAAAGAGGT
GCACTCCACAAGCACGAAAAGAAAATAACTACTGCAAAAATATCGTCGAACGCACGAGTC
>EP77058 (+) Dm HRB98DE_1; range -499 to 100.

TACATCTTGAAAATAGCTACAAAAAATGCGTTAAATTAGCATCGTGGAGTTAGCGGCGAC
GGCGGAGCCGAGTAATTTAACACATCATTTTTCTGGCCAGCGTGCAATTTTGAATATGCT
CTGCGAGTGGAGATATTCCTTGAAAAGTAGCTAGCCGATTTTTTTATTGCATATTTTATA
TACTTTCTGAGTCTATAAACTTTAGTCGTACATAGATAGTTAGATCTCTTAAATAGTTC
GATTTATTAAGATTTTTGCATTTGTATTTTTTTTGAATTTACCTATAAATAGCGAAAAA
TTAAATAAATAAATAAGATTCTCATTTTCCATATTTACCGTTCTGCCATAGACGCTAAT
TTGACCCACATAGATTTTCAGTGGAACAAGTGAAGCAACAACCGATTAGTGTAACCAA
ATACCTTTGCTTTTATTTAGGTCTAGTATTTTGTAAAGTCTGTCTACGGCTTTCTTTTC
CACAGGAAAATATATTTTCAGTTTTAGGGAAGGGGTGTACAGTGAGCGTCTTTCGTTCC
CAGTGTGCTTATTTCTATAGTATTGCTGAGATATATATCAGAGCAGTAAAGATATTTAAA
>EP77059 (+) Dm HRB98DE_2; range -499 to 100.

GAGCAGTAAAGATATTTAAATAAAGTTCTTCGAAATGGGTGGTCACGACAACCTGGAACA

ATGGTCAAAATGAGGAGCAAGATGTAAGTAGCACACAAAACCGCGACTGCACAGGGAAAA
AACTCAGTTCGGCCATAATCCCAATATATATATTTTGGTGATCAACGCGCTTTTACCC
ATGCGGCAACTAAAGTTGATGTGCTAAAGCATTTTCGTTGCGTTTTGTTACTTAAGACTA
AGACTAACAGTAGTTGTATCTTAATAGTGCTAGGGAGTACGATGCTGTCGGTATTGGTTT
CTCTTTTAGCTTTTGTAGTCAAAAGGCGTGATCAAGAATACACATGTTACACACATTTT
TAAGGCATGGTAAAAGAAACAGGGCAGATATTGAAAAGTATTGTATTGACAAGGGTGT
CTGTCAACTTATCGTTATCGTTCTAGGTAGTATCGAATAGGTGCTGGGTTTAATCGGGT
GTAGAAACGGTCACACTGTATTAGTTTTTTCATTCTGCTCGTGTGTCAGGGGACTTTCT
CCATTTGCAATAGCAAAAAAATAGTTAGATTAGAAGTTGTTCAACTTTTGCATTAGTAA
>EP77060 (+) Dm PP2A-B'; range -499 to 100.

GCCACCTGTATTGCCACCAAGTGTCAATTAGGCCAAGCGGCCCTGGTTTGTAAACAAGTG
CCGCAATATTTGCTAATATATAATTTACAAAAATATTTCTTATATTAATATATAGTACA
TATATATGATTCTTGTAATTTGCCAAATGTTATTTAAATTTAATATTTTAAATGCAGC
TAGCACAATTTATGTACAAGTATCGAAAAACCTCGAAGTTATTATTTTACAAAATTAA
AGAATAATGTGAGATCAACAATTAATAACAGTTTGTAACATTCGGTTTATTATAATTA
ATAATGATCTTTAAGTCTTTTCGATTTGGCAATAAGACAGTAGAGGAGAGTAAGGTATA
AGATAGATAAATAAATAAGTAAATAGCATAAGCAAAAGCTCGTTTTAGCTTTTAAACGG
AGTCGGTAAAATCTTCTAAAAGTAACATATCGAGGGTCGGCTGGGTCAGGCAACGCCGCC
GCACGCTGCAGCCCTGGTAACTCTATTTTCTATTGAGCACCGACAACGTTGCGTGATA
AGACAGTTTACATAAATTATTATTTACAATTGCACAGAGCGTTGATGTTGTGCGTTCTAA
>EP77061 (+) Dm L(2)GL; range -499 to 100.

TAGAAATCCAAATACACCCGCAATATTATATGTATAGAAAGAAAAAGTTTGATGCAACAA
CAAATTTAAAGTTGTTGGTATTTGTAATGGAAAGTTTGTCCTACTAAATATGGTTTTA
CTTGAACGCAGATTGGACATGGTCACACTGCCACAAAATCACGACATTGCGTTATAAAT
GAAGCACATCTAGTTTTGTGTTGAAAATGTGGTTCACAATTTATATAGCAGGTTATGGTA
AAACATCGATCGTTCGAAAAATTCGCTCGTTGGCACATTTCTAAATTTTTCGTGCGA
CAGCGGTGATTAATTACAAAAATTATTATTATAATTATATAAAAGTTGGCGACCATATCA
AAAAGTTGCTATAAAAACAAATGACAATTTATAGCGGAGTTTCACTCCCAAAGCGATGT
TCTCCACCCATTCCAGTCAGTCATGGAAAAATACCTTCTAAAAATATATGATTTTTTC
GATAGAGATACACGGGCACACTAGACCCACCGATCGCGACTTTGTGTGTGTTAAATGAC
GCGCATATCGTTTTGGGCTAATAATATTGTTACGTTTTATAAAACAGATACACGGTTAA
>EP77062 (+) Dm IDH_1; range -499 to 100.

CTTGTTTCGTCATTCAATAACTAATCAATGATTTTATTACTATTACTGAATATCCACAA
TTCCTTTCAACTGTCCAAACTATGCGAAAGAACGTAGCATTTCGCGTCTTAATGGCAGCAC
ACTTTTCGCATATTAAAGGCGGTGCACAACAAAAGATGGCAATTTTAAATTTTTTTGCTA
TTTAAGACCAGTTAAACGGCGCCGGCTAACATTTCACTTTTGGAGCACATTTTATGGATT
TTCTTTTAGCGTCATTAAAGCAAACGAACGCACGCTGCTCTACAAGTTGCGGTAATTGA
GAATTCAAATTTTATGTTTGGCGGTTTCAGCAAGACGAACATACTGAGTGCTGCAGAAC
TCGAGAGTAAAGCTTAAAGTTCGTGAGAAAGCTCTTCGCAAGCAGCTGATTGAATAACAT
GTTTTTATCTACGGAATTATCTCCACACGCGCCACCTCTTGCTCTTTATTGTTGTCGTC
GCCAAATCAGTTTCAGTTATTCGCTGCGTCTGATTGGGAGTGGTTCGAGATCTTTCGGTC
TGCAATTTAATTAGTCTGTGCTCTAACATTCTAAATTCGGCATTTTAAATATTCTAAAA
>EP77063 (+) Dm IDH_2; range -499 to 100.

CTATCGTTATCGATAGTACCGCACGTACCAGCTGATTTTGAATTCGGGTGAAGTTGAATA
AATAAGCTTAATGCCACGCGCTTTTCTAATTTGTATTCTTATCAAAACAAGTCGGCCGT
GAATTTAAATAAAAGTGGCTAGCCCGCAATAGTGGAAAAGTTTTTCGCCAGCTGATAAA
CGCAACAGTTGTCATTTCGGAAGAGAGGGACAATGCCACCCGCAATGCGAAAGCGATTGAC
AAGTCAGCGGCGGATAACGATTACATGTTTACGCGTTTCGCCGAGTGCTTATTGTTTTTA
TACTCTCGTTACATTATTAATTAACACACTTGCTTTTAAAGTGTGCCGAGTGTTGTGAGAG
CAGCTTATCAAAAGTCCGAGGTTCTAAATCTTATCTGACTGGGCATTTAGAACGTTGTGAT
TACGCCGATTGCGCAACAATTTGACGATTGTACGCCACCCAAGAGAGTCGGAAACTGTAG
CGCTTAACGGCACTTTACAGTTATCAGTTACGGTTAGAGCGCGTCTGACGCCCACAGCAT
TTAATTTTGCTTTGTCCGAAAATTGTTCTTTTCCGGGACTCCAGTGTCATATTGTCTC
>EP77064 (+) Dm CG1640; range -499 to 100.

CTATAGTTGCTTAAGTTTTCTAGCTACAAAGTTATTTAAATGATTCCCTGCTTCGAAAC
TAATTGCTTTTCGGTGATGTAGTAAACAGCTGAGCCTTTCAATTCGCCGCTTATAATTGT
GAGCCGGACTCTTATACACGCACACACCTTCATTTTCGCTGCTTCTTCTTTTCCGCTG
TTCTCATGGTGCTAAATCTTTCGATTAAGCGCGGTCTGTCTCTTTCTTTTTTTTGT
TTTTGAGTAATTTACTTACTGAGACGCTCTTCTCGTTGCAGAAATAATGAGTCGAATGCT
AATTAAACCTGTGCGGCCACAGTTTCGGCCGCAATTGCAGCAGCACCAGCGCCAGCAGCA
ACAGTACGTTATTTCGCCGTGGAAATCGTTCCTGCACAACAACAGCAACAATGCCAATCG
ACGTGCGGCGAAATCAACGGCAACAGCAACGGTGACGGCAGCAGCGACGTCGCAGCGCCA
TGGAACAAGCGGCGATTTTCATTCAACCGTTAGACGTCGCCCGGTTAGTTTCGTTTCGCTGA
AAAAGCCGCATAACAAAAACAATATATTTTAAACACATTTAAACACGTTATATATCGA
>EP77065 (+) Dm ERF1; range -499 to 100.

CATAAGCATAAAAAATGGGCGGCAATCTCACCTAGTAGCTCCAAATTCATTTTTGTTTAC
TATCTTCTTCTTTTAAATGGCAACTGACACTCACACCGAACGGCAATAACATATTATGT
TATAAATGATAAGCATAACAGAAGACGAGTTTTTCGATAGTTAAGGTTATATTCTGTACA
ACTACTGAACATCAATTATTATATTATAATACGAATTTAAAAATCTACGTATCTACGTTG
GTGTTTTTTGTGGTTTTATTAATAGAATAAGTTTAGTTAATTTAGAGGTGAAATTAAT
ATTGAAATAGTTAAACATATAAAATAGATAAAATTTGGTGAAGCGTAAGTAAATTTTAAAC
TGCATTAGTTATATCTTAATTCAGTTCCCACTAATTTATGAGCGTTAGATGCGATAGT
GTTATGTCTGGCGCAAGCGATTGTCTCGACGTTTCTTCGATATTTTAAAGATATCGATAAT
GTCATCGGAGATTTGCCACCCCTATTTTTGAGCTCTGTGCACGTTGTATGAGAAAAATT
TATGCAGATGTATTCGCCAATTGTAACCAAGTCCGGATTGTGAAATTGCACGCAGACAGC
>EP77066 (+) Dm CG2944; range -499 to 100.

GGTTAGCAGATGGAGCATTAACGTCACAAGTCCTGTTCTTGTATAGAAACCTTAAATA
AATTGTTTTGCTTATAATGACAAAAGGACACGATATAGGAAACATATATCTTTTTATT
CGTTTCCGATGTTATTGCCTTGGAATGCATACTTTATTGTAGATTGCTACATATAAAAT
GTGCAATGTGTTCTATAATCTGCATGTTGCATCCATAGATCTAGACGTCATTCGATTCTT
GGAACAACATAAGTGCCAACACAATCAGTTTATCATAACGCTAGAAGTCCTCGAAATTG
CAGTATTAATTAATAACTTAAAAATCTAATTTAAGATAATCACTTACCAGATTGCAA
AAACGAAAATTGAGTATTGAGAATTTTCAGTATTTAACAAAAATTGTGCGTGTATTCCG
CCCAAAAGAAATCTTTTATGATTAATGCCATAAGCACCCGTGTTTTGTTGGCTCGTTTTG
TAATACCGTTTGCAAGCCTACTTATATTGTGATCGGACAACCCGTGTGTTATCTTAAATA
ACAAATTTTTTATTTCTGTTGAAAATAGTTGTTTGTTCGTTTATATTTTAAATACTTCT
>EP77067 (+) Dm CG5505; range -499 to 100.

CCCCCACATTTAGGTGGATGTACAGTGAATTCACGTACTTCTCGATGGCTCGCAGGGAT
TTGCCAAGGTGCTTGATGTTGGACACCAGGAGACCTGTGGATGAAGCCATTCTGCTC
GATTGATTGCGACTAATTATGAAGGCTAGCTCAACAATTGCATCAACATTGTGCCGATGG
GTTGTCTGTTCCCAATCACACTTATCGATATGTGCTGATAAGGTGTAAAAATACCGTTATA
AAAATTAATTTATAACTGAATAGTAGGCATAAATAAAAAATGTCGCTGCAAGCCTTTC
AATAAGATATTGCTTACATATTCAAGGTAACAAATGTCTTATTAATTTAAACCAATTTT
TTATTGTTAAGAAAACATCGAAATACATTTTTGTAAATATCGTGAAATGCTTTAGGACAT
TTCGAGAGGCCATCGCGTCACTTGCCACTCGCGAGTTGGCATCCCCAAATGACGAAAA
TGAAGCGAAAAGAGAATCCGCAGTCGGAAGAAACACGAGGGAAGGAATTGCCATTATTTT
CGAAAGCAGACTTTTCTTCTAAAATGCCTGGCCGCGCACGAAATTGAAACAGATCAATT
>EP77068 (+) Dm CG13503_1; range -499 to 100.

TTACAGCAGCTTGACTGCTGCTCCACTTTGGATCCCATTGCTTCTTCTGATCTACTTAT
TCCATACACAAAATCCAGACAGACGACGCCAATAGCTTGTTTTGAATTTTGAAATAGAGT
GACCGTTGTTGTGCTATTGGAATATACCCAGCTTAAGGAAAACTTTTTGAAAGTATGGC
AACGCCGACCATGCTCTTAATTAATGAAATCTTTAATTTTGGCCATATATATAAGA
AACAATACAATCCGATGTGAATATATTTTATTTAATAATTATAAATTTGTTGTCTCAT
TTGCACGACAAGAATTAGGAACCGTTGAGTTGGTGCGAATTTGATCGTACATGCGTTACC
AAGGGTAATTTCCATTTAAATCTACACGTATGCCAAAATGCTAAAATTTGCTTAGTG
GAAGCTGTGTATATTGCGGGACACCGATTTGATAGGCACAAACCATCGAGAGACATCGA
TACGTCTATGTTTCTTACACCTCTAAGCTGCACAATAAATTTATTGTTTTCTCGACCG
ATTGCGAAGAAAATCTGGATATCCGTGGTAGATAAACAATGCTGCAGCGCTAGAACCCGG
>EP77069 (+) Dm CG13503_2; range -499 to 100.

GAGTTGAGTGAATCATCTGCGCTGGAGGCCAGCGAAGGGGATCACAGTGGACAGCAATTA
AGGAGCTGCCGTTTCCAGCCGATCTGTTCCACTGTGCCACAATAATGAGTCAAGACAGC
CCAGTCGGGGTTTTTACACGTTTCCCTGCCCAGGAGTCTTACGGTTTAGCATT
TCTTTTGGGATCTGCAGATTCTTCTCATCATCATCAGTGGAATGATGACAAGTGTGGT
CTGCGTCTGCAATTGTGGTCTCCCTTGTCTGGGCTTCTGGTCTTTGTCGAGTCACTCA
TTTCCATAGGCTCCATGGAGCTCCCATCTGTGACGTGACACCCCGCGAATATATTTTT
ATCAATGTGTTCACTTCGCTCCCCCGATATCTCTCATTACCCGAGGCTCTTCTCGCTG
GAGACTCTCCCCAGGCCTCCGGTTTCTCTGTTTGAATTTTATAGCTGGGGCATCGCATGC
GCGGCCGTTGGAGCTCCTCAGTTGGAATCAACTTGCGAAGTGAAGCGAACGCGGTTCC
ACTCGAAAACCTCGACGAGAAACAAAGACTATTGCAAAACGAAGAGAACAATTTGTTTAC
>EP77070 (+) Dm CAMKII; range -499 to 100.

ATCATACCTTGTCGTTTTAGATATCAGTTTTAAATCTAATTCATTTGTAAATTGAAGA
GCTCCAACAGACTGAAATGAAATGATTACAAATTAAGGATTTCAATTTATTTTACTTTAAA
TAAATTAATTTAAATTTAAATATTTATTTTCTTTTTGTAACATTTTAGGTCACGGTG
CGCATGACAAAGTGTGTGAAACGTTGGTTTGAGTACTTATTAGTCTAACTATGGAGCAT
TTATGTGGGCAGTTTTATGGAATCACGGCTAAAAATAAAAAAGATAATATGAAATATATTA
CTTTAGAGTTCCAATCAACCAATAATGTTAATGCGGAGGTAGTTTCAATATAGTGATAT
GTGCACAAATTAATGCGCAGACGCTCCTGAAACGAACCGTCGTTGGCAAAAGTTTTCGAT
TTAACGACATTATGAGACGAAAAAGCTTTTCTCTTAGCAGTTCATCGAATCAAACGCGG
CCGCAAAATCTGTGTAGTCAATTGAATTCGATTTTCAAGAAAACAGACGTTCTAAAAA
TTTCGGTATCTAGCTGTGTGTTTCGTGTTCTCCAGCTCGTTAAAAACATATACATATAG

>EP77071 (+) Dm CG18809; range -499 to 100.

TGGGCGCCGGAGTTAATCAGCTCCTCGCAGCGGCGCTGCTGGGCCTGTCAAGGAGATGGA
CTCTGTCACTTAGCACATGGGCGATTACCATCCAGCATGAGTTCAGTTCTACTTGCCTT
AAAGTCTGTCTTGCTGGTGATGTAGATGTTGTGGCGGTGCTAACAGCGGGACGCGGCGG
CTGCTTGGCACCACCTCGGTGGTTCTGTTGTTTGTGGTATTTGGCGGATCTCGGCTTGGT
CCCGTGCTCGGGATAATTGCTTCCCATCATCAGCGGCGGAGGAGGCGACTTGTGTTTTCC
ATTTACCTGCGCGTGTGCGAGTTTCGGACTCGGACTCCATTCCGAATCGCACGCTGGCC
AACACTGGCCAACTCTAGCGAACACTAGGCAATAGCTGAGCGATCTGGCAGCCTGGCTCT
AGCTGTCACCGTGACAGCTCTCGATAGTTTTGAGCCAGCCATCGCTATAGCTATCGCCA
GGCTCGTGAGATTCTCGCCAGTTGAAAATTTTTCGTCGTAACAAACAAAGGTA
TGTTTTTCGTTTTGGCACCTTATCAAGTACACCAGACCGTAAGCCAAGGCACCGATCGAT

>EP77072 (+) Dm CG32016; range -499 to 100.

TTTTACGAAATCAAATCGAATTCGGAAACAAATTACGATTATTCGGTAATGCATGCCTGA
TTATAATTTCTTGATTTGTTTTATATTAATTTAAATTTAATAGTTTAATAATATAAAAA
ATATTTCTTATTTATATTATATTATGAGTATTTCAAATGTAAATAATCATATAAACTAT
TTTATAAAACATCGACGTTACATAAAATTTATTTTTGTTTTTCAAGTGTAATAA
TAATATTAATCATTTTATGAAAAACATTCGGCACCTTTACTCGACGCTCATACGAACGGACA
GATATGCTTAGTCTGGTATCGCTTTAGCACAGTAGGAAAAAACCTAGAATTTCTTTTCCC
ACAAATGTCACAACTTCAAAATTCATTGTTTCACGGTGTTTCTCTTTAATGTTTCAAT
ATTAATATATATAATGCCTTAAGGTTCAATAAGAACAAAATATTTTCAATGTCTATATCC
CACTCCAATTTAGCGTGATATTCACAAAGCTAATCGCAACATTGTGAGCATTAAAAATTG
TTATATATGTATGTAAGCGTCTTGGGATTATTTCTCATGAAACTCAACAGTCATATATA

>EP77073 (+) Dm CG5251; range -499 to 100.

AGAATTTACAGGTGCAACGCTCCACGGACGAACCTCAAGTAAAAACGTAAATAGGGATC
GCCAATTGGGAACCTGTTACTTTTCACAATTTATTTCCAGTCACTACTTTTGAATAAAA
GTAGCCGTGACTCCAACGCAATATGTTTTTGGCAAAATAATCGATTATGTTGCTCCTTAC
AAATTTACTAAATTTTTAAATAATACAAAGAGTTAAGGAGTTCTCTTATTGTTATTAATA
TTTACAGTTGCCAAAAAAAAGTAAATACATATATAAATAAAATAAACGATGATAAATGAA
AAATTAATAGAAATATAGTTATTAATTAAGTTAATGTAAACAACAAAATTTTGCAGAAAA
AGCATCAAATATCATATTTCTTTGCATTATTTCTTGGTCACTTTGTTTACATACAAAAAT
TAGTACCTAGCTATATTTTCATATCTGAAATACGCAATGCAGTCGTGTGAAGTGATTTT
TTCGCTTGCTATTATCGATAGTTTGAGCTGTGGAAAAAATCGAATGTTTCTTGTGGAAA
AAATTGGAGTCTTTAATTTGGCGAATCCATTGTTTACTTTGCGTTTATTTTAGCCTTA

>EP77074 (+) Dm TFGAGA; range -499 to 100.

TTCAGAGTGGAGTAGTATAAGAAAAATGTTGAATATTTTGATACCGGATCCGATAGTTATA
GAACCGGAACCTACGGATCCCGTTGACCTTTTTCTTATCGCACTCTGATATTCACCGG
TCGGACACATGTGTTTTTCATCCGTGAAGTCGGCCAGAATATTTCCATCATTCAATATT
TACCACCTTTTATAGTTTTGTTTACTATCTTGCCGACTTTTTTGCTTGGCGTCTTGCTC
TCCTCTCCATCTAAAAATACTCTTCTGCGCTCCATCTGGCAATGCCGCTCGACAACCTG
TACTTCAAAGAGCGTTGCCAGGCAGGTCACTTCTCTCATAGATACACAGATACAGGCGCG
CACGCACACCAGCACGCAAAATAACCACCACCAGCAGTACAGAAATTACACATTTTCTCC
CCGAGTAGAGAACTGAAAAACTGGCCGCGCTGGCAGCGCCGGAGCAGCGAAATTCGATCG
AAACCATTTACTCAGTCTCAGTTCGAGTTATCCAACGTTGGCGAGCGGACAAACAAGCAG
GAGAAAAAAGCGTACGGGCAAGAGAAAGAGAAGGCACAAAATCACCCACAGCCACTGAAA

>EP77075 (+) Dm FER1HCH_1; range -499 to 100.

TCATTCTTGAGCTCTGCAAGCGACACGTAAAAAAGAGCCGTCGCCATATTAGCAGTTAT
CAAAGTGGGTGACTGATCCCCCTTCGAACGTGCAATCAACTTGACAAAATGTGAATTA
AATTGTCAGCAATAATTAACCGCTGGCAACACATGACGTGGTGCTCTCCACGGCCAA
AACAAAAACAAAGAACAGTGATGCGCATCTCAAAAGAGCGGCCATATTGCATTTGATAA
ATTTACTTCTTAGTAAGTGGGGATTATCTGACTAGGAAACCCGACTTTATACAAAGTATA
CCCATATTGAGGACGTGTGTATCACATTGAGTGCGGCAATTATCGGGAATATTCAATTAT
CAGCCATTTAAACGGTTAACAAAGAACGGGCGACATGTTGAAAAGATAACAGTGACACT
CTCCCATCACTCACACACACAGAAAGAACCGAGAGCGCGCGCTTAAAAGTGTGTTT
GTGCGCCGTTTCGGAGCGACAGTTCGCTTTTCGAGTTTCGCTAAAACACAACGTAGAAAGGCC
TTAGCTCCACTGAAAAATCAGATTAAAGCTGTCAGCAGAAGGTAAGTGGAAAGCATTTCGAG

>EP77076 (+) Dm FER1HCH_2; range -499 to 100.

TTGATAAATTTACTTCTTAGTAAGTGGGGATTATCTGACTAGGAAACCCGACTTTATACA
AAGTATACCCATATTGAGGACGTGTGTATCACATTGAGTGCGGCAATTATCGGGAATATT
CAATTATCAGCCATTTAAACGGTTAACAAAGAACGGGCGACATGTTGAAAAGATAACAGT
GCACACTCTCCCATCACTCACACACACAGAAAGAACCGAGAGCGCGCGCTTAAAA
GTGTTTTGTGCGCCGTTTCGGAGCGACAGTTCGCTTTTCGAGTTTCGCTAAAACACAACGTAG
AAAGGCCCTTAGCTCCACTGAAAAATCAGATTAAAGCTGTCAGCAGAAGGTAAGTGGAAAGC
ATTCGAGAAGTCGAAAAATAATCCCAATCAAGCCCATCAAATTGAAGCAGGCGACGCCCTTC
TGCGCCAGTGTGTGTAAAGGCAGCTAGATTTTCAATTTCAACGCCTATTTAACATTGTAG
CTCAACTCGAGTCGCCTCATTCTCATTTGTGCATTTCAAGCAAAATCAAACCTAAAGTGAAA

AACAAATTTTGTCTGTGATTTTGTGTAAAGACTACGTTTCGACGATCAAAGATGGTGAA
>EP77077 (+) Dm DG2; range -499 to 100.

TGGCCTGTCACTTAGGACCAAACAGTTTCGCCGTTTGGTACTCTAAAGCTACACTGCGA
GAAAAAATTGAATGGGTCAATGTGTGAACATTAGCAGATATTTGATATTTAAATAG
AACAAATTTGTTTTCTCAGGTTAATATATTGGTACAAATGACTTTATTAAGACTTAGTTA
CCAAGCTTATATGGTCTCAGATCATTAAATATAAATACCATGCTCTAGATTAGTGCAACT
TATTTCTCAGTGCACAGCACTTGCTTTTGTTCAGCTCTTACTTGTATATGTGGGTATT
TTCGCTCTCCAGACACACATACACACACACATATACCCGATCTCTGGGGCTCTCGC
CCACAACCAACAAAACGTGCTCAGCTGTCCCACTATCTGTACCTGTCTCTGTTCTGCT
CTCTCAGCCGATCGCTCAGTTGGAAATGAGAATGAGTAATGCTCCAGTGTTCGAATCCC
GATCTTCGGGCAATTTCGTCTTCGTCCGGCAGGCGGCGTAGCGAGAAAACGTGTGTGGCG
CATGCGCATGCGCTCGGTTGCGAAAAGTGACCTGGATTGAAATTAAGCCACAAGAATA
>EP77078 (+) Dm APT_1; range -499 to 100.

CTGTGGGACAAACGCCATTGTGGCTCTGTACGCCGGCGCCATTTATCTGATGCACTGCAC
CTTCGCTCTGGATCTCATGTTCTCCCACTCACGCAGTCGGGCGAATCAGAAGATGCATCC
ACAGCGGAGCAAGCGACCACTGCAGCTGTACTTCATCAGCCGGGGCGCGGAGGCCTATCT
CAGTCGCTTCTGGTTCTTTTCGGCGCATCGCCGCCAGGATGCTGACCAGCGCCAGCCATC
GGAGCATTCGGCGCGAAGCGGCAGGTCTCGTCTCCGAGTCGGACTCGGATGCCAAGGA
GAGGGAGGAGGAGCGGATTAGGAACTCGGAGGTTTTCAAATAGCTCAAGTAATTAATAT
TAACGTTACCTGCTCGTGTGCTCACTGTAGTTGTGCCTTTTGAAGCCCGCTGCTGTGC
AGCCCTGGCGCCATCAGCTGTTTCGCCGCATAACAGCCCGTCTCTTGAGCGCGCGCACT
TTGACAGCTGTTCTGTTTACAGTTCCTTTGGTTCTTGGAAGTTTGTGTCGCGCGCGTG
TGATTTTCGTTACTTTTGCCGAATTGTGTCGATTTTGTGGATTTTGCATTGGTTTAAAG
>EP77079 (+) Dm APT_2; range -499 to 100.

TTTGCTGGCTGAGCAAATAATTCAAGATTTGTGATATTTGTTGTTTTATCCGAGGAGAGC
GCACTGTTGCTTTTGTGTAGCCGCTTCTTGCTTTTTGTTTTGCTCGCCATTTGCTAC
TCCCACTCACTCGCAGAGAGAGAGAGAGAGCGAGAAAAGCAAAGACGAAGGAGAAGAGAG
CGGAGAGAGCGGAGTTGGCAATCAGCCTAAGTTAAAGTACAATTGCCGCTATTGTCAAT
ACTTTTGCCCACTTTAAAGCCAAATACAACGCACACTAGCGAAGCGCGAGAGCGCCGC
TCCCGAATTGCTCTCTGCAGCATGTTTCGTTGCTGCACGAAGCGCACACGAAGTGTCTTC
GGCTCCGCTCGTGCTTGTGTGCGTTTGTAAATTGATTTTATTAGTTTTCTGTTGTTTG
TGTGTTTGTGCTGCCGAGTCGCCGTCGCCGCTGGCAGAGCAGAATGATTTTAAAAAA
TTTTGAAATGCGGCCCTTTAGTCAGTAACATAACGTGAAGCAGTGCGAACGCGCGCAGCG
GCACAATTCACGCTTCTTGCTTTTATCCGCGTCTTCCCCATCAATCACTTAAGAA
>EP77080 (+) Dm CYCE; range -499 to 100.

AATAGTTTCATATTAATAATTTAAATATTTTCTGAAGGTCATATTTGAATTAATAAT
GGCATATGACATAGAAATAAATCTTAGGTATTTATATATAACCACGATATATCCGACTAA
ATCCGCCCTTCTGGCATCCTCGTCAGCTGTTTTTCGACCACCCAGCTGACTGGACGTCGA
ACCTCCAATTGTAGTCTGACTAGCCTGTTGGGACTGGGACTCCAATTGCAGACTCCAT
TCAATAAAATGCCAAGCTTGCCACCAGCGCTTCATCGCCCGTCTCGCTTTCTCACGCT
CTGTTCTTTGCGCTGGAGATGCTCGCCCATCTCCGTCCCTCCCCTAGAGTACAACAAAG
TTGCCCCCTGTGTTTGTGCATTTTTGGCGCTTCGGATCCGCCTGTTTTGGCGCGTTCC
TCATGCACACTCGCCGCACTCGACGTCGCTGCTTTTGATACCCAGTTCACCAATTTTTT
TTTCGTTTCAAAGCGATCACTTTGCTGCCGCCGCTCCGCTGCTCGTGAAGTTTTTTCGT
GGCCGGCGACGACGACGACGAAAACTCTCGAAAAACGTTGTTCAATTCCTTTAAGAAA
>EP77081 (+) Dm CG5541; range -499 to 100.

TGGTTTAGTTTTGAGTGTGTTGAGCTGGCGATCGTTTGAGAGACGCAGCCGCTAAATCGC
CGCAGCCAAAGCGGCGCTCGTTCCACTGAAATCCGCTCAGAAGAGCGCAGAGAGCAGTTA
AAAAATCTACGACAAAAGGGGAGAAATACAACAGTGATGATAGCGCCGAAAGTGGCGGAAA
AACGCTAAACAAAATTGAAAGTACATCTAAACATTACGTATACGCCGTAGTGGTGACAA
ATTACACATACGACTAGTTGAACGGAAGTGAATTAATTACTTTTATAATAGTTATAGCTT
AACAAATAGTTGTAGGCGCTACTCGTATTGAAAATTTATTATGTAGCGAACGTTTCGCTAAC
ATGTTTTTGTAGTGCCTTGTTAGTTAATTCGACCCATTAGGTGGAATGAAATCTGGCA
CATTAGTAGCCAAATGAGCATCACTGACTTCTGGCCGGAGGTTGGGCATTTCGCTTTGGC
GTTTCGCCGCTTTGGCGCTCAGTTTGTCAATTGCACGCGCTTACGCCGTTGGCCGCCCAA
CAAAAACAAGGCTGTAGAATACATAAACCGCTGACCGACCGCTCGCGTGTTTTTAGTTT
>EP77082 (+) Dm TSP; range -499 to 100.

GTTTTAAACAATATATTACATAATTGCAACTTAAAGCGCACAAACGAAAACGCGCTGAT
CGTTACAGAATATTTAAATAACATTTTCTATATAGAAAATAAATTTTAAATTTCTATA
TTTTAAAGAAGATTACCCATTATAAAATTTTATTTTTTACTAAGGAAGCGGAAGATATGA
GATCTGAAAGTTGACTACCACTTTTTCCTCACTTCTCAATTATTCAGCAGCGATCTG
GCCCACTGTGATGTTTACGCAATTTTGACGTTGGCGCTCGCGCTTACTCACGCGTC
AAATCAAAAGAAACACAAACGAAGACAAAATGCCGCTTTCTCCCAAGAGCAACAACAAC
AGCTGAGAACAAAACAGAAACGAGAAAGCAACAACAAGTTGTGCTGCTCCAAGTTGC
TCCAGCCAACAGCGCTGCCGCTGCCTCAGTCGACGCTGCGCGTCGATCATTCCCTTTGCA

TTTTCAAATTTTCAGTTTCAGTTTCGCGTTGGAACGTTGAACAAGACGGTGCCTGCTCCTAG
GTGCTTCGATAAGTGATCAGTGATTAGTTTTGGCGATAAATCAGTAGCATCAATCGATCG
>EP77083 (+) Dm A/A-T_1; range -499 to 100.

AAAAACCGCGTTAAATGCAATACATTCAAAGTATTTTATCATAGTTTGGCAAAGGAG
GTCGTACAGGTCGTTGTTAATTTCCCAAAGAAGCGTGCAGATTAATTGTAATGAATCCAT
TATTAACATAAAATAGTCTTTAACTTTTGTGTAATTCAGAACTCGCAATAATATAATA
TATAATATAAAATAATATAACATAATGGGAAAGTCGATGTAAAAATATTTTAAAGGTATT
AAAAAATATCGATATTGATGCTTCAATCCCGCTTGCCTTAATTTTATAATAAAACGTAA
TATACTGGTTTTAATTACATCAAAAATAGCCATATTTATTTATACTAGCAAAAGTTACCG
ACAAAAATATCACGAATAAAACCGAAATCTAGCTGAATATCGATAGATCGCCGAATAAA
TACCAGTTAAAGCAACTATCGATATGCGGTATTTTGCAGCTTTTCATCCCAAGTCACTG
GGCCCTCGAGACCCCACTTTACGAATTTTATTGCGCAAGTGAGCACGCGGCTTCGT
CTGATTCTGCAAAAGAAGTTTTATTCTGTGACTTTTGTGAGAAGTTATCAACTGAAGGT
>EP77084 (+) Dm A/A-T_2; range -499 to 100.

GCTAAACGGGACTATCCGTCTGCTTCGAGCTGACTTGTGCGCTATTTGCCAAATGTAAA
TGTTGTGCGTACATTCAATTTGGCAAGCGTTAGAAAGCGCCGTCGAAAACCTCGAAAGG
GGTAAATGAAAAACAATTTGGCCATATATGCATTTTGGTCATGGCCAAACGAAACAAAA
AGTGTTTTCTAATGAGTACAAAGTGTGTGGTACAATACTTCTCTTATGCAACGAATGGCG
ACATTGAATTCTTGAATTCTCAGCACTGATAAGCGGCGATCTCTCGCCCTCTCTCGCTCG
CACACGTGCTGTTGCCAACCGCTAGTTTTTTTTCGGCTCTCTCCGAATTTGCATACTCT
GCATATGCATATAGAGAGAGAACGCTCTCCCCCTCTCTCGCTCACGCTCATCTGTTGCTG
AACTTGACGATGGCGGCGACTGCGACGCCGACGTAGGCAGAGCAGGCTAGCTGGCAGATT
TCGGCGAAAGGAACTTTACAAGCAATTCAGTTGCCGTCGGTTTCAGACTTCTGACTTCC
GAGGAATAAGGATAAATTTTTTTCGGTTTTGTGCTGTGATATAGAAACACAAATACAAAT
>EP77085 (+) Dm CG5547_1; range -499 to 100.

CGCCATGGCCAATATGCCTCTTAAATACCATCGGTATTATTTTTACAGTGGGATCAATC
AATAAAATATACCTTTAAATGAAAAAATTTTAAATTGTGAATGTTATTAGTAGTGT
TCGTTGTTTAAATCTATGACACTTTTTTTTTTAATAATTGTTGTGACAATTTTACATTTA
TTTATAAACAACACTTTGTTATATCCTAAAATATTATACATTTTATTGGGGTGATCGA
CTCATAAGGATTTAATAGAGTTAATACCTTTTAAAGTATAATAACAGATTTGTACTT
GCTTAATATAAAAGTTCTAGCTTAGTAACATAAAATTTGCCAATTTAAAGTTATTTCCAA
TATATCTCGATCAGCTGTTGATGTTTACAAAATCCGCGTTAGCTGGTATTCATCGCACCA
GGCATATGGTATATTTGGACAAACACCGATGCGGCCACTCTGCTCTCACGGTACGAAA
TTGTGAGAAAAAGAAATGAAAGAAATCTAAAAAACCAGCTAAACACACCGCACTTAC
GCCCCAAAGAAGTTCCCATGCGCCGCGCTGATAACGCAAGTCTGAGAATCTGAGACC
>EP77086 (+) Dm CG5547_2; range -499 to 100.

ACATTTTATTGGGGTGATCGACTCATAAGGATTTAATAGAGTTAATACCTTTTAAAGTAA
TAATAACAGATTTGTACTTGCTTAATATAAAAGTTCTAGCTTAGTAACATAAAATTTG
CCAATTTAAAGTTATTTCCCAATATATCTCGATCAGCTGTTGATGTTTACAAAATCCGCGT
TAGCTGGTATTCATCGCACAGGCAATATGGTATATTTGGACAAACACCGATGCGGCCACT
CTGCTCTCACGGTACTCGAAATTTGTGAGAAAAGAAATGAAAGAATCTAAAAAACCCTA
AGCTAAACACACCGCACTTACGCCCCAAAGAAGTTCCCATGCGCCGCGCTGATAACG
CAAGTCTGAGAATCTGAGACCAATTCGCTCCGAGTCTGAACGTGAATCCGAGTCCGAAA
CCGATAACGAAAACGAACTGAGTAGCTCGGTCTGAAATGGGAATTGATATATAGCGGG
CGTCGTCGTAGCTCAGAACAAATAACTTACAGCTCTCGAAGCGTGAACGTGCTGTCGTC
GAGTTTCCGCTTCAAACGAGCACTGAAAACAGAAACATACTCTCCGGAATCTAATGTT
>EP77087 (+) Dm REGUCALCIN; range -499 to 100.

TTGATTAGTTAGTTTAAATCTTAATGTTGCACTTAAAAACACACAGGTTAAATTTGGTTG
AAAAATTTCAATTTTCAATTTACTAAGTACTTTTATAAATTTAGGGAGCCTAATTATTC
TGAAAATCATTTCTAACATTTAGGCTTCAAGTTTCTGTTTTCTGTTCAAAAAGTGTTCAA
ACTTTGAGCTGCTTAAACTCGAAAACCTTCTCATTACGCTTTTCAAACGTGAATGCTGCA
CTTTGCAATCTGTTTTGGAATATTTTTTTTTTTGCAATTTGCCATCGGGTTAATTTGCC
CGTTGGCGACTTCTGTTGCTCTGTTATCAGGCCGGGCTATCCAGCCCTCCAATTTCCGC
TTATCAGTGGGCGAAGGAGGAGGAGGTGAAGGTGGAGGCGGAGTAGAGGAGGTGGAGGTG
GAGGAGGTTTTGGCGAGATTGTGTGTCACGCCGTCGAGCTGGGGTATATAAGAATTGG
GCCGGATCGGGTGGCATTAGTTTGAACGCGCTACTCAACGGAGCCGTGTCCAAGGATTC
TCGATTCTCTATTCTCGATTTCCCATCTCTCAGCTCAAGCTTAAGCTATCTCCAAGGTAG
>EP77088 (+) Dm CG1166; range -499 to 100.

CAAAATATTGCATATATCGCTTGTTCAATTTGGGCCGTCGATCCCAACAGCTACAATTTT
TAAATAGCAATTTTTTATCTTTTACCCTGTTTAAATCAAACATAATCTTTTGATATGCA
ATATGAGGTTCCAAAGATCATAAAATATTTAAACGGTTTTGATCTGACCATTTCTGGAAGA
TATTTAATTCACGGCTCTAAATTCATAGTACTCTTCTTTATATATATATATATATGA
AAATATATTGTTTAGTTTCTAAATTAATTTGACAAGTTCTTTTAAAGAGTATCCATGAA
CAGAAAGTTTTAAATATTTAACTCAAAATTTGATCATGTGGTTGGAGTGCTGGCTAAGA
GCGCAGCGAAGTGCCCAACCTCGAACAGGAACCGTTTTTTTCGGCAACGGTCACTCTGTT

TTCGATAGAAATAACTTTTCTCGCAGGCCTGGTATTTTTTGGCATTACCAGCAGTGCG
GCCGATTGAATCGTTAAAAAGTAAAAAGAGAAGCAACAGCGTGAGGTGTAAATAATGTA
AGACAATGCAATATAGTAAAGGCGAGCAGCAATTGGGAACAGTGTGCTCGAATCAAGTGC
>EP77089 (+) Dm RIN; range -499 to 100.

ATTACTATGTGTTGGGAACGAAAACAACATTTACATACAAAGAATTGTTTAAATCGAA
TTTTCATATTAACCTTCTTATAGGCTGAAACATCAACAATTTTTAAATCATTTAATTGGT
TTATATTAATATTTTTATTTTTTGCAAAAATTTATACAATTTTCATATTCGGATTTCCC
AACAGGTTATAATATAACGTTATTATGGTTTTTATTTATTTGCTATATAAAATGTTTCCT
TTAAAGAAAGGTGTTTCATGAGCTTACTCAAAAAATCGGAAATGGCTAAAATGAAAATAA
GTTTTATAAACTATTTAAAAAGAACTTAGCGCCCTAAAATGAGCTTAATTGAGCTCAA
ATATGAAAATATCAAATTCATCAAAATATTCTATGGAACATACTAGATTAACCAACCCCAA
AAAAAGAAGTGTGTGCACACCCTTGAAAAAGCCGCCATCATTACACACCAACACACGCG
AAACCAAGAATAAACTGTGCAGAGGCAAAAAAGAGGAAAGAGGAACGAACGTCGGTTC
TCTTCTCGATTCAACACACTTGTCCAATTCATTGCGTTTTCGATTATTTCTACTCAA
>EP77090 (+) Dm ROX8; range -499 to 100.

GGTTCTGTAAAAAAGGGCCACATTGCAAAATCTTATGAAAATTATACATAACATACTC
ACTGTTTTCTCCGAATCCGACTGTAAAGCTCATCACATTTAACGTGATCTCCACAAGAA
ATTATATATTTACTGTTTTATAAAAAATATTTATGCCATTTTCGACGACCTTTTCGATAACG
ATTGTTATTTCTAGTCTGCTTTGTGCTGCATTTGCGCCCGCGGTGAGTGTGTTAGAGAGA
GAAAGCGGTGATGCAAGCGTTATCGCCTGCCCTAGGGTTGCCCCCTTTTCGATAACGTTG
CTTCAAATAACTTAAAGTCGCGAATTAATGTGTGATCCTTGTCAATTATCGCTGAATTT
CCATTAAATACCCCTACGTAAGTAATTTTATAAAAAATCTTGTCAAGTCCATACTCTTT
ATTGCATTTCCCATCTTGCCGCCATTGCGTTTTTATTTCTCAGCAAGTTGGCAGCCCTGG
CTCTCGCACAAAAATCTCATTAAATAGTTCGCATTTTAGACGACGAAGGTAAAATTTTA
GCGACGCGTTCAACGTACATTTGCAGCCCTAACAACTTTGAAAGTTTCGCAAAATTAAT
>EP77091 (+) Dm L(2)K09913_1; range -499 to 100.

ATTCCGAAGGTCGCGCCGAGGGTCTGCGCTTCGAGCTCTTCGTGATGGTTTCCAACAC
GAAGAGGATAAGGTAAGGTGTCTTTAGAGTATACTGCGAATGCCTCCTGATCCCAATCCT
CTTTCCTTGTGACAGTTGACCAGACGGTCGAGATTGCGGCTGCAGCATCGCCGCTTCCT
ACTGCGGCTGCGCGATCGCTCTATCCGGATCGCAAGTCCATGGGCTTCCCCTTCGATC
GCAAGCCGCGTCGAGGCTCCGAGATCCTGGAGAACTTCTGACGCCAACATGTGCGCCG
TGGAGGTCATCATTACCCACGAGGACCGCACCGAGAAGCTTCGCGAGGTACCAGCTCGCT
CCTGAATAAGAGAAGCATCTGTTATGGCCAGTTTCATTTTTTGGCTTAAAGAGAAGCCA
CTAATAACGGTCTATAGCTTTCTCGCTGTGTAGAAAATACCAAATAAATTAATGAAATAC
TATCAGATGCCAAAATACCAGTTTACCGTTGGAACCTCCCGCGAACGGTCACACTGTGCT
GCGGTTGGGGCGGAATTGAATTTATTTGCAAAACAAAAATCGAAACACGGGAGCTCGACG
>EP77092 (+) Dm L(2)K09913_2; range -499 to 100.

GGTCTATAGCTTTCTCGCTGTGTAGAAAATACCAAATAAATTAATGAAATACTATCAGAT
GCCAAAATACCAGTTTACCGTTGGAACCTCCCGCGAACGGTCACACTGTGCTGCGGTTGG
GGGCGGAATTGAATTTATTTGCAAAACAAAAATCGAAACACGGGAGCTCGACGTTAGCGTA
AGTGTACGGCCACCGATTACGCTGCTGGCCAATTAATAATCATCGATGTTGCACACAG
ATACGCCGCACAGACACTACGCACACACGCCACCGCCTGGGAGCAAGATTCGAGCCAGA
ATCTCAATTTGATCAATTTAGCATTCTGGCCATTTGACAATACAAATTGAGACTCGTCTG
CACTGGGTACAAAGTTCAGTCCGTGTGCATTGGCCTGTGCCTGTGTGCGTGCATTGCGGC
GTGTGTGCTGTGTGAGTCTGTGTGTGCAGTACGCAATGAGAGGAGAAAAAGCAAGAAA
CCACTGCCAATCATTTTTTCACTGTGTGTCAGGCGCTTGTGTGAAAGTATTCTGATTCTG
CCCGCCCGCCGTGAAAGTGTTCGCAATTTCCGCATCCGCATTTCGCATCACAATGG
>EP77093 (+) Dm G-GAMMA-1; range -499 to 100.

TTGGCATGCATTTCCACCGTCTTTTGGTCTGTAGCGTTCCGTAATCCTGCTCCGGCAGG
CTGAACCTCGCGTCTCTCGTTGGAAAGGGCAGCGACTCCAGATCGTCCAGTTCCTTCAGC
TTGTACATGGTGCCAGGTGGCGCCAGATCAGCTCGCTGGGCATTTACGGTTTCAGCGAC
TTGGACAGACGCTGGACAATGCAGGACATGTAGAAGTGCTTGTGATGCCACCGGGCGC
AGGCCTTCCATTGCATGGAACAGCTGCAGCTCTTCTCGCGGACCACTCGTGGTCGAGG
GCGGCCGGTAAGGGGGCCGCCGTTCCGGCCACAGCCAGACCCTGTCTTGGCCATCATT
TTGCAGAGCGCATGGAACATAAACTGATACGTATTGTATGTTTTTCTGCGCAATATTA
GCGATGGTATGCGGGTGCCTCACGCACCCGAACTATCGCCGCGCGGCACATCACTAGTT
TGGGTGTGTATCCACTTTTATTCGTCAACTTTGCTCGATTTTAGCCCGTAGAGTTTCGAGA
TTTAAAAAATAAATAACATATAAGCCGGAGCTGGTAATTAACAAATAGTGTGCAAAATAT
>EP77094 (+) Dm CG18212; range -499 to 100.

GTAGAGGGTATCGAACACCACGGGTCCATAGGCGGTCTGCAGGCGCGACTTGTGTCCAG
TAAATTGAAAATCCAGGTGTGCGCCTTGGAATCGAACGAGGCGTCGAAAGGAACATCAT
CAGGCTGCCAACACGTACAGGGAGTAAGCGAACGTGGCCAGGGATGCCAATAGTACTAT
GGACTTGGCAATCGATGTCATTTTTGTGAGGAAAATTGAGAAAATAGCTTGTATTTCTGA
GATAATCAAAACAAATTCAATGAACGTTTCGGTGAGCTAATCAGTGCACCATGGCACAG
TCGCGATAAAATCTTCGGTGAAGAATTTCAATTTGGTTTGTGTCCACGATAAAAAACATCG

CTCTCCCCACGTAGCGTGTCTCGGCTACAAAAACATAGCGCATTTATCCGGCGGCTTGAG
TCATCGCTAGTTGTCCAAATTTAGGACTATTATGTGACTGGCGCGATTTTTGGAGTATGT
CGCCACGGTCACTCTGTTTGCAAATGTTTCAATTTTCCCACTAACGAAAAAGTGTAAAGTC
CGCAGCCGAAAGGCATAAGAAAGTTGAGAAAAAGTTTAAACAGTTGCAAGTAAGAACTGGT
>EP77095 (+) Dm SLGA_1; range -499 to 100.

TCCACGATAAGCGTTCTTTACACAGAGAAACATTTTGAATAATTTTCGTACCTGAAACTA
AATTTCAAATTTTGGCAGCGTATATTTCTGATCGATATATTTCTCCAGTGATCTGGGTGT
AAAGCAAGCCTGTTTGGCAGGCCAGTGTTGCAAGACGCCGTTGTCAAGAAAGAGACAGG
GAGAGAGATGAATAGAAGGAATGGTTCGTTTTTGTGGACGCTGGTGTGGGAGTCCATTG
ATAAGATAAGAGCACCGAAGATTCCCGGCCAACCGCCAGGGGCCTAGATAAGCGTGCCGA
TTTTTATTGGGTAATAAGAGTTGACAAGATGGCGATTAATTTTCGATCGGGTTTCTTTTT
TTCGCTCACGTGCAGCCCAAACAGCTGCTGGGGGTGGCCCATCCCCTTTCTGCCCTCAC
CGACTGGTCCAACAATTTCTCTCAAGCTTTTTTGGACGAGCTTTCGCCGTGTTGGCCTTA
ATTTTCGTTTCATGTGTTTCAGTTTATTCGCGAATTCAGACCCTTGCGCGTGCTCACGCTC
TCTGTTGCAGCAGCAAAAACCAAAAACCCTCGAAAAGAACAAACATTGACTCGAAAAAAC
>EP77096 (+) Dm SLGA_2; range -499 to 100.

CCCTTTAACCAGCGGCCAGAGCGAGACGAACCTGATATAGCCCATATGAAGTGTA
TGAAATCTGTGCAATGAAACCGCCAAGTTTTTTCGATTGATTGCAGCCTCCCGTCTGGC
GATTATTTAGCGGGCTGCTAATTAATAAATAAAATGAAAAAGGAAAAAGGGTTAATGGG
TGGAAAACTGAGAACGAAAATTGGGGAGAATCAAGGAGAGCCGCAATTAACACCAATTAG
TGTGTGCTTTCGGCGCATTTCAATTAATCAAAACAAATTCCAAATCAAAATCAAAATCA
GAAGCAAACGGGGCTGGCATGCTGTGACGTCACACAGTCGTAGTTACAATTACGGTACA
ATCTCGGTTACATTTACAGTTACATAAACGGGAGCGAAGCGGCGAAAAGGATTTTCTCGC
CCTCGGGTCTTCTCGTTTCGTTTCGTTGAATTTGCCGTCGCTTAACAACCTGCCCCAT
TTTCACGCGTCTTCGTCGATTTGGTTTCGTTTCGTTTCGTTTCGTTTCGTTTCGTTTCG
GTAATAGATAAATAATAAGAACGAAGTAAGAAGAAAACCCAAAAGACACATAATAGCGA
>EP77097 (+) Dm GRP_1; range -499 to 100.

TCGACTCGGCTATTGATTCTGATCAAGAATATATACTTATATATAAATATATACACTTTA
TATAGTCGGAACGCTTCTTCTGCATGTTACATACTTTTCAACGAATCTAGTATACCTT
TTACTCTACGAGTAACGAGTATATTTTAGGAATTGTGTTATTCAATAAATTGTGTGTTG
AAAATGTCTACACTACGATCGATTATTGAAGAAAAATAAATTCAATGAAAATTA AAAAC
AATTAGTCAATAATTATATATTATTTTAAATATGACTATTTATAGTACCGGATAATAATC
ATATTTAAAAAAGTGATTTTAAATTAACAGCTAAATACTGTAATGATTTTAAAGTAAAT
ACAAAATAAAATCAGCTAAATACGAAATCACAATTTATGTGCCTTGTGATTTTCGACGA
TCGATACTTGGGATCCGAAACGGATAACCATCGATATCAGCGATTTACTGGAGAAATCGA
TAGCTTGCACTGTGCATCCAGTTTTGCTCCAGCCCTATCGCAAACTAAAGTATATTTTAG
CAGCGTTTGGGAATTTTTTGCATTTCAAGTTACTCCAAGTGTGAATAAGAGCACGGTCGC
>EP77098 (+) Dm GRP_2; range -499 to 100.

AAGTTACATTATTTTCGCTATTATTTTAAATATGGGTATTAGTATTTGTAAAGATTTAAAA
AGAAAAGTTGAGAACTATTATGATATTCATCCTGAATTCGATAAAAAAATAGTTAGAAA
AACTATGATAGGGAGATATGTATATTAATACGTTTTTTGTCAAGGACTGAAATCCTTTTA
CTAAACGTATAAATTGTACAAATTATACGTTTATGTCAATATAATTTCGATCATGTATAGAT
GATTATTAATAATAATAATGGAATAGTTAAACAATGGTCCGTCCTCACTGTGCACTGCTG
AACTTGAGCGAGAGAGCAAGTTGAACCTTGCCAAATGCTGTGCGGAAGAGGAAGAGCGAGA
GGATTTCTCCAACCCCTTCCCGCCTATCGTTTTTGGCGCGCGCAAGCGTAAGCTCTCCCT
GCTCTCGCGGCTCTCCGACGCTCTCTGGAAGTTTCGAGTTTCTTCGAGGCTTTCTCGG
TTCGGCGAACCTAGGCGGCAGTTTGATTCAACTCTCAGACAGGACGAAGCGCCTGCCAC
AGGATATGGCTGGGAACTATAGTGGAACCTACGCCGCTATGTAATAGTAAATTAATAG
>EP77099 (+) Dm LARK; range -499 to 100.

GGTTGGATCGTTCAGGGTCTCTTCGGTCTTTGCCAACACATGCCAGATCGTCTATGTTT
TTACTGCAATGTTTATATATATTAATGCATTACATTGTTTTTAAATTTTTTTTACATCA
ATGTTTATAAAAAATCAAATACATTGCAATGTAAATATTTTCTGTTAGTTATAATTTTTT
ACCACATTTTACATTTAACATTTTTCTTCGAAGCGATCAAGTCAGCTTGCAGTTTTTCGT
AAATTATTTGGACTTATTCTACGATTTCTGTAATAAATAAGTAATGTTAATTATATTC
TTGATCCAAGACAAAGTATTCATATAGTACCACTTAACGAGTTACGATCATGATCGCTA
GACATTCTATGTTTTCTAATCTTCATATATTTTAAAGATTTCCGTATTATTTTAACTATC
CGGTATTTTTACAGAGCTAAGGTGATCATATAACGGGAAAACTCTATCTGGTATTTCCAC
CCAAGTCAGACTCAGTCACACTCTTCCAGACGTCACACGGTCATATTGCGGACGAAGTGC
GAATCGATTTGGAAAAATCTGCTGCTCGGCCTGGAAAGTAGAAAGTATAAAGCTCTGCGT
>EP77100 (+) Dm OBP49A_1; range -499 to 100.

TTTAGCTGAAAACGCACACAATATATGGCATATCGTTACTTAATGGGTCTTTGAGGTTG
GAAGATTATACATGATATATAAGAATAATAAATAAAAGATGTTTACTTACTAATTTTCTT
AGAGCAATCGTAATTATACCTTTTTAATCATTAACATCAAAATTTTAAATATGAACCTCT
ATATTTGCATTCAATCCTGTTTTAAATGGTGTGTTGAATAAATCAATTAAATTATATTGAT
ATTTTTAAACAAACCAGGAAAAATTGAATTGATTTCATTGGCAATCCTTTGGGGTTTCAAA

ATCGATGTATTTAATTCAAACACTTTTTTCATCAATCAATTTATTCTACATTTTCATGTAAA
TAACTCGTTCCCTTCTACACGTATGTGCTATAAACTTTGAAAACCGAACGTATTTTACA
CGAAGCCACAAGACACGAAGCTGGATTATAGCACCATTATGGCATGTTCATCGTTAGTTT
TCCAGTGCCGCATGGCTCAGTTCGTTGCGAGCATTCTGGAGTTCGGACGTGAATGTGT
TATTGACTCACAGCGTTTGTGTTCCGTGCCGTTTGTGTTGCGGAGTTCCATCATCCGTC
>EP77101 (+) Dm OBP49A_2; range -499 to 100.

TAATTTTAAATGAGCTTTAAGATGAAAAAGTTTTTTCTTATCACAGTGCCATTTAATTC
TGATGACAGTTTCCAGTCAGATGATTAAGTGGTCTATCTTTTATCTTAACTTTATTTGCC
CCTAATCTCAAGAGCTCAAGTAGCAGACCTTTAGACCACAGATTGCATAATACAAGGTCG
AGTCGGAAAGAAACCGAGCTATAAATCTCGCTAATTTAAAAAGTTAGGTAAATAATTAA
CACACATCTATAAAATTTAAATTTCTGTTTATGGTTTGCTTCCTTGCTGAGCTGCTCGGTT
GATGTCTCGGCGACATAGATCCTCGAATGGGTTCACTTCTCTGCTTCGCACAAAATTGG
TTCAGTTGCCTGCTTAAAAGCTTGGGATCAGTTGGTGTCTCTGCTAAAGTATCGTTATGA
AGAATGCCATAGGATCTAAACTCAGGTCGACTTTTAGCTCCAGAAAGCTTCGAGCAG
AAAATTGAAATAAATTTTCAAGTTGTCTCTAGCTGATCGCCGCGATCTGATCGTCGTTACA
CTTCATTTGATAGTAAATCAGTGAATTTAATTTAGGATTTTCTGCGGTTGTTTGTGTT
>EP77102 (+) Dm BCDNA GH02439; range -499 to 100.

TTATAGGTAGCATATTTGTCTAGATGCATATTTTAAGTAATCGTAATGCATTGAAGATTC
CAGAAACTACTATTGACGCATACAAAGTCAAAGGACCAGAAACACAATATCTAAATGTGA
TATAAATGTGATATAAATTTAATACTTTTCAACACAAAACCTCAGTTGGGAGTCGAATTT
GTAATGCGTAGTTGGTGGGCAACCATCTGGCCACGCTCTGTGCAACACCTTCCCAACAAA
CTGCCCTACGGCAACATTTCAACACTTGGCCACCCCAACCGCTCTTTTCCCGGCA
GCATCACTGCGAGAGCGAGAGAGACAACGGTAGAGGGGGAGCGAGTGGGCAGAAGGCGAT
TTCATTTGGCCATTTCACTCATCATCAGTTTGTGTTTGTCTCCCGTTTCGCTCAGCTTCGT
TTCGCCTCGGAAAAGATCGGCTTTTACGCCGGCGATGGCGATGGCGTAGCATTTTCCCA
TGATAAGCCAGTTTTCAGTCGTCGCCAGCGTTTCAAGATTGCGCATTCGTTTCAGAAA
CGCGGTTCCGCCGATTTCGCATCCGATTTTCGGTTTCCATCCTCGAGTGTCTGTGCGCC
>EP77103 (+) Dm ARF3; range -499 to 100.

TCTGGTCGACGACTAATAAGTTCCATTGTACCTCTGAGCGATGTCAGTATCGTAAGTAT
TGCTCAAATATAAAACAATACAAAAGAAGGAACTGAAATCAATCGACTTGATTTCAATC
ATCGGTTTCAGTGTGGCCGCCCTAGGGCTTTGTAAGTTCACCAGGGCTACATTAAATAC
CAAATCACTAAATACACAAAACAAAAATTTTAAATTAATAAATAAATAAATAAATGA
AATGACGAGGAGAAATATATCAGTACATTTGTTGCTAAATTAATATGAATAAATAAATGA
ATATAAGAAAATAAATCTTTTCAATTTTGAATTGCAAAAAGTAATAACTTATTGGCCAAA
AAATCACGATATCCCGCCAGTCACCGTTTTTCATCTGATAAATTCAGTATTTTGGTAT
TTATCCTCCGATTCTTTGCATTTTCTAGCGTATTTTCTGGAATTCCTGAAGATCTTGTT
CCGCTCTGCGCTAACGGGCACATTGCTTCGTGTATGTGTATATAAATACAAGAAGATTAG
TGCAAAATTGTTGTTGTTAGTTATAGTTTTTGGCCGCCGTGTCTAGCAATGCATTTT
>EP77104 (+) Dm CYCG_1; range -499 to 100.

CGCGAATGTGAGCACAAAACAAACGGCGGCTGGATGGCTTTGTGTGAGTGGGCTTGGGG
GTGTTGCACACACGCATACACACACACACGCGCGCTGAACTAACTCGACTTGAATCC
CACAAAGTTGGCGTAATTTCCCTGCGAAAACCTCTCTCTCTCTCTCTCCACCTCCT
TCTTTACGCACACTGGCACACGCACTGCACACACACACGCCCAGCGAGAAGTTTCTGCT
CAAATCCTTGTTAGAGACTGGCTTTTACTGTTTTTCTGGAATTTTCATAGTTTGCATTA
ATTGGCTGCTTGGGAACTCGAAAGTACAATTTTCCGCCGACGAAATCCAGTTTCCAG
CCAATTTGCCTTTTTTCTTTTTTATTTTGTGCGGCTGTGCAGAGTGACCGTTTTCGCG
ATACAACATGGGCGGGCTTGCCAGATGGGCAAGCGCGAAATACCTACCTTGGATTTT
ACAAACACCTAGTTTGGTCAGTTCTCGAAGATTGATTGAGAATAAGTTTATATTTTT
GGAAATAAGAAGCAAGAAAAGCAGATACTGATCAAAACGAGAGGCATCCGGGTAAGTGC
>EP77105 (+) Dm CYCG_2; range -499 to 100.

GACATTGATTGTGAAATTATGTGTGGGAAGTTTTCGATTCCCTGCCAAAACAGAAGCTTC
CATTTGTAATAGTAATTTGGGAACCTCAATTTAACTTCGAGGATTTGTTGCCCTCATATTT
TTTAATTCCTAACTAATTAATCACTTGTCTATAAATTTGTCTACATCCCGCATTCAGAA
GCATAAAGTTATTATTTAATCCCTATCAGGCTTACGGTGTGAAAATTGTTGACACCAA
AAAGAATTATTGCGGGCTTATTAGGTTTCGATAACATTACAGCGAAATGTTAGTTAACAGAGAGA
ATCGAATAACATACATCGATAGTGAGGACTATCGCTTCCGCTGGCTTAGGGTATTTT
ATAGTACAAATTTCAAGTTCGACCAAAATCTGTGGAACCTGTAGGCCTACTGGTAACACTG
GTCGCTCACAAATATTCTTCATTCGTAAAAAACAACAAAGCGGAGAAGTACCGTTTTTGC
GAGCGCGAGTGTGTAATGTGTTTGTGTTAGGAATAGAAAATAGAAATTGAAAAGGA
>EP77106 (+) Dm RPL3; range -499 to 100.

TCGACATTGCTAATTTCTGATTTTGTATTTTATTTTTCGCACCAACACTACCAAACGCA
AAATGCGCCAAAACGCCGCCAGTGTGGCGGTGCGTGGGGCAGACAAAATTCCTTTGT
TTAATGGTGCGAAAAAATCTTTGATTTTCTGTTTACAGCAATTTGGTTATTATTTAACA
AGTAAAATGGTATTCTATGAATTTTGTTTTAACTATTGATAATTTTGGAGAGCTGCGTG

ATAAGTAACAAAAATAAATTGGAGAATTGAACATTTTCAGTGCTGCACAACATTGCATGGT
TGGTGTCCCAACTAAAAAGTAACCCGTGTTAAGAACGTATGAGGGTGGCATCCCTCAAAA
TCCATGGCGAGCAGTGTTACCGTACTGCGAAAAAGTGACCTTAAACCCATCTCAAAAAATA
TACCAACGTGTATTTCTCAGCAAAAGTTACCACTGGGCACACTACACACTATATAACGAG
ACGGAAGTCGGAATCGTTTCTTTCCGTTTTACACGTCTGAAGAGAACAGACATGGTGAG
CATCTCGATCGGATAAAATAAATTATATTACTATGTGATGTGTCAAAAAGATGGATGATT
>EP77107 (+) Dm ENO; range -499 to 100.

TACGTGTGGATCCGATTACTCTAACCTTGTGCGAAGGTCAATTTTCCCCAAAAAATATA
GGAAACGTACCAGGGAAAAACAACAAAAAGGGAAAGCGCACCCCCACACTGAAAACCGGC
GAGCACCTGGAAACGCATACATATAAAAGGAGAGTAAATGTAAGTGTCCCTCTCTTTTCC
ACACTTAGAGATGGGCAAAAAATACATCGCCTAAGCTGAGCTTTTAAAAATTTATGAATATT
AAATTTATCATATAGCTTGCACAGAGCTATAGTTTCATGTAAGGTAACATAAATATATA
TTTTAAATGATATTTTTTACTCTTTATCAAGATACAAATTTGGTAGCACTTTTCGCCGCCG
TCTTTTACACATTCAAGCCATGTCTTGGACCGCTTCAGTTTTCTTGAGGACTTCCACCAC
TAGCATGAAGTTTCTGCGTCTGCGCTGGCCTCTCCCCAGAATTTCCCAGAATAAATCGGC
AAACGTTGCGCCGCGTTTTCAGAAGCAAAATCAGCAGTCAGCCAGCTCTCATCTGGATTTAA
ATTTGTGCAGATCCGCAAAAGTACTTGGTATGTATATTGCTAGACTCTTGGTGTGTGCTT
>EP77108 (+) Dm CG8863; range -499 to 100.

TTCCCCAAGACGCGATTTAACAGACGACACGCTCTCCACATTATTGTTTTGCACCAGAA
CGGTGCGGGCCAGAAACTGACGTGTCTCATTTTCGATAAGTAGTTTTATTTATAAAGT
TTTCCAAATGTTTATTAATAATCGGCTTTCAAACAGTGTGACCATTTACTGTACTGCT
AAACAGCTGATGAATATCACTAACAGGGCTAACGATTGCTAATAAGAATCGTGGACTCA
GAAGGAGTACTTTGAGAACCCTCAACTTAATAAATAAGAAAAATATTTATTCAACACAG
TATTTATTAATGCATTGCCAAAATTATTTCTGTAATGCCCATCACACTTAAGAAATACAT
ATTATATCCCATCAAATTATCAAAAATTGCTAATCACCTGAAAATGACTAAAATACCAGT
TTTCGGACCTTTGCGGTGCGAGGCAACCCTGATGTTGTGGTTTTTCTTGCCGTTTGCCGC
TCTGGTCACACTGGTTTTCCAGTTTTCTTCTAGCGTGGCGGCCATAGTAAGCTGTTGAAA
AGTATTCGACGTAAATTAATTTGTTGTAAAAGTGAAACTTCCAGGAATCGGGCTGCGAA
>EP77109 (+) Dm CG11661_1; range -499 to 100.

ACTATTGCGACTATTCCTGAGAAAAACAATGTAGGTGGCTTCAAACATTGTTGGAAATTA
CTAAACATATGTTTCTCGCTTTTCTTTTGAAAATTTCTGTTCAATGTTTCTTAATAACT
TGATATGATTTACGGATATTCAAAATGGAAAAGTGTCAAGCAGAAGTCAACCAATCGT
GGTTACAAAAAATAATAATAAATAAATAAATAAATAAATAATCTTGAACCTATA
TTATTAATTAAGGTATCAAAATGGTTTAAAGTAGATTACGGAAAAATTTTGAATCTTTA
CATATTACTTACAGACTTTTTACATCGCGCTTTTCATGATCTTCCACAGTGGCGCCATCT
GCAGTCGATAGGAATAAGCTCTGTATGCTAGTGTTACCGCTCACAAAACGTGAAAAAT
AATCGATATCTGGCACAACCGATAGCGTTTCGATATGTTTGAGAGTCCAGGCCGTGCGC
TAGCATTAAACAGTCCCACCACTAACGCAAAAGTTTTCGGCTGTAAAACGTAAATATTTA
AACTTTAAGCAAGTTTAGTGTAATAAATAATCAATCATGTGCGTTAATTTGCAAAAAGTC
>EP77110 (+) Dm CG11661_2; range -499 to 100.

GTTTCTCGTTGTCTTTGGTATTATGTGATAAACAAGTCTATGAATGTATTATACATTTT
ATTTTTTTGTGTATATCATACCGCTTTTTCTCTCTCTCGTTTTTGGCTGTGTGGGCGGC
ATTCTTTGAAATGCCGGCTGACGAACGGACTTTGGGATTGTTGTAAACAAATTCGGGCTA
TAAATACGCAAGACATGGGCAACAACCAGGAGGCGAGGCGGTTAGATAAACGAGGAAGT
GCGGTCAATATGTAGATACATGAGTATGTACCTGACTGTTATCAGGTCCACCGATCGGCG
ACCGACCCAACCCCTTTTGCAGAAGATAAAGATACAACGCCGAGTTGTATGTGGCCG
CTTTGTGTGTTTTATCACACACACACTCTGTATTTTCTTCCAAGCTTGACGCCGCTC
GGCGGTTTCGTGAAGAGCAAATTCGATTTCTAAATTTTATATTTCACTCTCGAAGGCGGCC
GCTTTTGTATTTTTCGCTTTCAGTTCGACGCGCAGCACTCAGCACGAACAAACGTTTGACGCG
TATCTGCGAGATACGGATACGAGTACGACGAGTACATATATTTCGGTTGGTTTTTGGAGCA
>EP77111 (+) Dm BCDNA GH04962; range -499 to 100.

GACCTTCATCTCGCTCACACACCATTTAGCTGAGTAACGGGTATCAGATAGAGAGTAACT
CGATTCCAGCGTTTTTCTTCAAAGAAAAATAACGTCCAGTTTTTCTTAATGAAATCAT
AAATACGCATAAGATTATGCATCTTGCGCACAACAGTTACTAAATTTTACTATAAAAGAA
AGCTTATGTATATTGCATGTACAAATTACGAAAGTTTGGTCTGTGCGTTTCTGAAGTTTT
CTCCTCCCAATTTTGATTATTGGAGTCTTCTCATTAGCTCTTAGCTTCTCTGAGAATTT
CGAATATCTGCTTAAAAATAAAAAGCTTAAAAGGGTTTTGCTGCTTTTAAAAAATAAGA
ATTGACATTTTTTAAAAATTGGAGCCATAAAATAAACGTACAGGCACACTAATAGTAGGGT
TGGTATTTTTTGTCTAAGTTTGGTATTAAGTGACACTTCGGCGTATGTACTGCATATTTA
AACAGCCAAGCGACGGTCACATTGCTTGGGTCTCTGCAAAATTTTTAATGAAAGTTATT
AACCAGAATTCAACCGGAGGTGAGCTGTTTGAAACTTAAAGGTTTGGAGTCCCACGAAGA
>EP77112 (+) Dm CG5410; range -499 to 100.

GTCAGACAAACAGGCAATTTCAAAGTTTAAATGGTGGAATGTAAACGGATGAAATATAATT
TGGGAGACTTTACCGAAGTGCAGTATGGAGACATTTCGTAATTGAAGGTAAGTTTGATTT
ATTGCCTTGTATCATTTCTTTTTGTTTATACGAATATTTTTAACAGAAAACATTTTG

TGTCCTTTACAACATCCTTAACGGTTGGCTGATTTAGCGGAAAAACGCTAACTTGTCTATA
TCGTAGAGATCCAGCTGTCAATAAAGTTACCAGACAGTTTCGGATCCGATGTTTTTGGAT
GGAAATATTTAAATTACGTGATCAATTTTAAGCAACTGATCGAAATAATAGTTTTGATTT
GTTAAATTCGTAGAATTCAAACACAATTGCCGAAAAATTGGGAAAAATATCGCATTATT
TGGCGGTGCGCTAGTGTGGCAGCCCTGGTAGCTGGTTGCGATATATCGACCTTGATACA
CCTACTGCCATCCCCATCACTCTGGGTTGTTTTTTTTTTCGTTTTTGCATAACAAAATCC
TAGAATTTTCGGCTAAACGCCAGCGATCTCTGACCAGCAGAGCACGAGCACAGGAGCGGC
>EP77113 (+) Dm CG1906; range -499 to 100.

GGTAAATATAGATGCCTACGCAATTTTTATTACGTCACCTCTAAAATAATTACATTAC
TATCAGTTAAGAGGGTATTCACAAATTTTGTATTGCAATTTGTATTAATCACTTGCAGAT
TATAAAAGATAACACAATTCTAAGAATTCGTGCAGGAAGCACTTTTGGAGTATGGACACT
CATAAAATTAACGCATACTTAACTGGCGGAAGCCACAAGAACTAAATGCAGTGGATTGA
ACAACTAATTTTTTGGAGTGCCTGCCAGGACCTCGTTTAAACATCTGTTAACATCTGT
TTCTACATAGAGTGATGGTGTCTCTTAACTGCATCGCACTTAACATCGCCAATAGGATGG
TGTAATTGCTTAGGTGGGTGCGTGTATTGCTAGAAGAGTGCCTTCGGTTGCTATCGAT
AGCCAATAGCTCTTCGAATATCATCGATAAGTATCGCCCTCAGTACATCGATGCCCGATG
CTTTTTTACATCACTAGTCACTTTGTTAATCAAAATATTAGAAAAAATCCATTTCCGCC
TCGAAAGTGCAATTTTCGGGATCGCGCAGAAGTGTTATTAAGTGCAGCTCGTTTGGTGTAT
>EP77114 (+) Dm ARF79F_1; range -499 to 100.

TTCTAACTTTTTCCGAAAGTCGTCAACGGGAACACCTAAGAGTGTTACCCCTGTAAGTGGT
GACTTTGGGAGTAAGGCACAGCCATTCCAACAGCGGAGCAAGTGCAGCAGACTTGACAAA
ACCAGGAATTAACAGTTAATAAAATTTGCAAGCCAGTTTTTGTGTAAATACGATTTTGT
GCACATTGAAAGTACATACATTCACTTTAAGGATATCGGCTTCAGCAACGGGTTACCA
AAAATGGTGTTTTTGGGTAACATATTAACATTTAACTTAGTTCAAATCACCTGGATAG
TGAACTTTATCGAGTGAGCATTGTGCGACAATGATGAATCGATTAATCCAAATCGTTGGC
AACTCTAGCCGAGGTGGCGGAGAAGAGACGTGGCAGCATTTCCTCGAGTTTTCACCACGGG
ACTACACAACATCGGCATCCCGCTCTAGCTCATGCGCTGCGCCCATCTCTATCGGCAACG
TTTATGTTGGTGAGTTTGCAGTTTTTCAACAGCAAGTGATTCTCGGTCAAGTTTTATT
TTGCTCTGTGATTTTAGACATTTCCAAGCAGAAGTTTTTAAATTTCCGCTCCTAGCCGT
>EP77115 (+) Dm ARF79F_2; range -499 to 100.

TTCAACAGCAAGTGATTCTCGGTCAAGTTTTATTTTGTCTGTGATTTTAGACATTTCC
AAGCAGAAGTTTTTAAATTTCCGCTCCTAGCCGTGTGCATTTGATTCAATTAGTTGGTG
CGTATGCGTTTTTCAGTCGAAAAAGGGGTGGTATGTCAAGGCAGAGATACTTTTCTTGAT
TTTAAGAAGTTCCGCAAGTAATGTAGATGTTGCTGTGAGTGTTTAGTGTGGCTATCCACG
AACACTCGCGCAACGTACGCGGCTGTGGTGAATAGTGAAGTATTAGTATTGGAAGCCGC
ACGAATTAATCGTCGGTGCTTTGTTTATAGCATTATCGTAACAGGAGACAAGGACAAGCT
CTCCTTTAATTACAAAAGTGATAGCTAAATTATATAATTGGGAACATTTTACAATCTCTG
TTCGGCAGACAATAGTGACTTGTGCTCATCGACTATCGGTAGCGGATGCTATCGATACAT
TTCTCTCATTATCTTTCTATTTCGCAATTCGGTGTGTGGTGTGTTTGGCAGCATAGAAAA
TTCAATCAAAGAAAAGTCCACGAAAAAAGGCAGAATAATCGGTAAATGGACGTGTAAAGT
>EP77116 (+) Dm CG17723; range -499 to 100.

TTTTATTTTTTAGATAATTTCCCTATAAAGGCACGACATCACTAGTAAGTCATTTACCTT
TCCCATCCAATACACAAACCAACTTTGAGCTTGAGTGCCATCGAGCTTTTTGTTGGTTAA
AAGGGGTTAAACGCAGTTGTTGGTAGTTTTGCGTTAAACAAAGAGTTTAAAGTACATTAT
ATTGAAATGTAAACGCCTAAAAAATAGATTTATTGTAAAGTAGCCCTTCAAAAAATATT
TCGTATTAAGAGTGACAAAATGTATCAAAAGCCTGCCAGTTTTTTATTTCAATTACATTA
CTGGCTCCTATTTTGGTTTCTACTACATTTACTAGTTTTCAAATTTATTTTTGAAAGACC
GCTTGTAAACGGTCGATAGTCATTATTGTTAAACCGATAGAGCTGCACAAATATTATCGAT
ATATTATTGGTATTTTCCAAGTCCCGGATGGATTTTCGATGACTGTGGCTGCAGTCACA
CTGATTCGGGAAAAATATTATTTATTAATAAATTCGTGGACCCGCGCTGTACATCTGTGTC
TGTGCTGTTGCTCCGCTCCAAGTGCAGGCAAAAAAGCAACCAAGAAGGCAGGCAGCCCAAT
>EP77117 (+) Dm CG13384; range -499 to 100.

GAACTTGAAATGACGCTCGACAGCTCCACCATTTTGTATTTTATGTGATATTTGTCCG
GATATTTAAGGATAAAGGCGCTTTTTAACAATAATTCGCAGACACGTACAAATTGGGA
GAGAACTCAAAGTAGGACCGTTCGTCTAGTTTGAATAATACTGATAGCTTTATCGAT
GAAGGCGCAAGTACAGTGGGCACTCAATACCTTGAAGTTTAATAAAGAATAGGTTTATAT
ATTAATAAATTTTTGTGTTTTAGTTAAACTAAAACATAACAAATCTTATAGATTAATGA
CCGCTATCGATTTCTTTTTAATGTTGCATATGTTTGAAGGTAATGTTATAATTTAATTT
ATATAAAAGAAACACAAATCTTTTTCTAACCCGTTAATAAAGTTTTCTATCCGATTTT
CACTGTACCGCCAAATCAGCGAATTAATCGATAGATACGGAAAGTCATCTCGATTGTTG
TGTCTTGCTTTGCTTCTTCAGTGCTTGTGTTTGGGGTGAGAGGCAATTGTTATTGCGAGTT
GAGTTCGAAGAAATAGTAACGTATGTATTTAAACACCACAAAAGGGTATGATGTGCGT
>EP77118 (+) Dm BCDNA LD21213; range -499 to 100.

TACTTATGCCAATGCCTGCAGAGCCTTGCTGTATCATCAGTTTCTGGATGGAAATGGAGA
CAAAACACAATACCAATCTATTAAATGACAATAACTATCAATTAATGACTAATATTGGC

TGTACACCAAGTAACCTATCCCCAATACTATGAAGAGTAGGCATTCTCTGGGTTGAAT
TTAACAAACTTCTTTGGTGTCTATTTTAAATGAAGAGAAATCAAAGTTTTGACGATATATA
CAAAACAATATGTGTTAACATTGCATTACTTAGTTAAAAATCTATAAATCAATGAAAATA
TTGAATGAATTCCTTAATTTTATGATATGTTGAAATACTTGTATTACTAATATGATTTA
TAAATTCGTGCTTAAAAACCTATCATCTAAAATGACGGTTTAAGCGGATAAAAAATTG
TTTTGGTATTTCTTACTTGTGAATTTCCGAGTATTTTCTGAACACCTAGCGTTTAGT
ATTTCATAGATTACTTATTGTTTTCAATCTGGTAACACTACTTAATTGAGCCTTGTGAAA
AGAAGAGCGGAAAAACAAGAAAACTTCTCGTATTAATAGGTGGCGCGTAAAAATCATCA
>EP77119 (+) Dm CG11799; range -499 to 100.

CGAGTACCAGTTCCTCCTGGGCGCCCTCCGTGGGACCATCCCGCACCCATTTAACCCAGC
GATACTGCTGTTTGATGCCTCCGCCAATGCCCTTGGCCACCAAGCGACCGGAGACGGGAT
CCCGACCAGCCAAATGGGTGATCTTCAGCGGCTCAACGGTGTACTTCTCCGGAAGTGCA
CGGTTTCGTGGAATTGCTGTCCGGCACCAGGTTTTGGTTTCTCCACCACTTTGGTTTTGC
CGCGCAATTGCTGCAGAAACGCCGGCGCGGTGCGAAACGGCGTTTGTATAGTCAGCGTTG
TGCTCAGCAACGTGTTACACTTTGCATTTTCGATAGTTTTATTTGAAAAATTAAATAGA
ACGAAAAATATATGCAAACTGTTACAAAAATCGAAATGCGGCTGAAAACAGCTGTTACGCGG
CGTTGCCAGACCACGAGGCCATGCGCTGATTTTCGGGCGCTAGCGTTGCCAGCATTTTG
CTCGAATGATCTCTTCTTCTTCTCTCTCCTTACCGCGCTGAAGCAATAAGAATCGGAAAAAC
CGCATTAAATCGCTGAAAAAGTGACAAAATCGGCTTTAAATTATTGCCCAATTACTAGT
>EP77120 (+) Dm CG1623; range -499 to 100.

GGGCTCTTACCGCATTACGATCAGAGCAGATCATGCGCTCGCAGCACGTGTAAACTACG
TAAATATTCAGGGCGCAATTAATGCCACTTCGGTGGATTGGATTTTCTTCCATTTTCGCA
CGTCGGAAGTGTCACCTTTTGGGGCGCCAAATACTCCAGTTAGTCCAGTTCAGATGGTG
CATAATCGGCCAGCAATTAAGTAATGTACACACATCACCTTCGTTTTCCGGATGGTGCTA
TTCCGTGGGGGCATGTTATGGCGCGCACCTTTCACGTAGGGCGCTGCAGGGCAATTCGC
TCTGGGCCACGGCTATTAAGTCTCCAGGTAATATCTGGCACTCGGAATTCATATTTAT
TTTGCCAGCCATATACTAATATATGCTATATGTGTGCCAGCTACATGCGCACGAGCAG
AGCGATAACCGCCGACGAGCGACGACGATGTTGCGACTACTCCAGGCGTTTGAAGTTGCT
CGTTCAGGTTTCAGTATTCAGTTACGTTTTTGGCGTTTTACGGTAACGCAGCGGACAGTTA
GCCTCCAATTATAGGTGCGTCCATATCTCCCGACATTCCAGCTTGTGAGTGTGTGCCAAA
>EP77121 (+) Dm CG6416; range -499 to 100.

CAATTAACATATACGCGAGATTTGTTATATGTGAATAATGTGAATAATTCTCGACTGA
GGCGGCAGGACAAACAACATCCGTTTTGGTAAGGGGAGGAAATGGGGGCGGTGTTTAA
GGTGGCGCGTGGCGGGAACCGAGGAAAAAACAATAATATAGATCACACCAAGTCC
AAGTTTATACGATGGTGTATTGTTGTTGCCCGCGTTTACGCTCGGTGAACAGGCTATTTG
CACAAAAACATATTTTGTATATTTAGGAAAATCTGCTCTCTCTCGAATATATAGGATT
TTCTAGTGGATTGGTATGAGTGCCTGGGTCGAACGAACGGCCTCTGACCGTCAGCACTCG
GTTTTCTATATGGTGGCTCACACAGACAGACAGGCAGATAGACACTCTCAACCAATACC
GAGTTGGCTATATAGACAAATTGGAATTCGCGCAGTCGGAATAGCAATAATTGCCAGC
ATTTGAAAATTTTGAATCAGTTGCGTTTCGGAATATTGAAAAATAACAACAATAAGACT
CGAGCTCGAGCATCCTTTTTGTAGTGAATCCTAGTGTAAAGATCTCCGATCTCACCAGCT
>EP77122 (+) Dm CG14998; range -499 to 100.

AGATTATCGATGGTATCAACTCGCTGCTGCAGCTCACCGCCCTTCTGGCCAAACTCTGCA
TTGCCGCCGAGAAGCATTAGATTTAATATGAATATAGGTTAAAGAAATCTCAGAGATAA
ATAAAATTGGAGATAAATAAGTCCTTTTTCAGTATTGAATACAAGTGTACCTAAATTTTAA
ACTGGGCACCGTTAGTTAACAGATTAATGTTAATTTCTATGTCAGCGCACTTAGAGCATA
TCGTCCCTAATGGAGTGTTAATTATTGCGCCCTTGGTATCGGAAGCTGAAATTATCATAC
AACATTAGATAATGTATTTATAGGACCGAATGATCATTAGTTTTTATACATAAAACCGGA
GTTAGTTTTTATACATAAAACCAATACGTTAGTTAACATTTCTAGTATTTTCGTAGAGC
ACACCACTATACAAACAGTACGGTCTGCATTAAGTAGATTATCGCAGCACTACAGAGCTGGC
CACACTGTTTGCAGCGCTAAAGTAAAGTGAATATGGCGAGTCTTGGGGGCCAACACGGA
AATATTTGACTAATCCAGAAGGTACGCATTGAAAACAACCCGCTGAGAGTGCGAAATCG
>EP77123 (+) Dm CG1471; range -499 to 100.

CTACGGGTATAAGCACCCAAGTGCCCAATCTCGTACTCCCGATCTGCGGAAACTAACGA
TATGATAAGCTATCAGCGGATTATTTAAAGCATGCAGAACGGGCAAAACCAAGAATACAC
CTAGCAAAAAGGGGAGACCTTTTATTAAGATGAAAATAAGTGAACGGTCGGTAGTCTAC
TGTGATAATATATCTAATATAAATTGGGCAGTCAGTTATAGATAGATGTACCTTCTTAGCT
CAGAAGAAGTTTATACCCATTAGTTCGAAATTCCTCATCGAACATGGATTTGTATGAGCGA
AATGGTTGACCGCTTGAGCGACTGACTGATGGATTGATGGTAGCTGCGCCCCACAAGCG
CCCCAAAAAACCAGAGAGGCCAAAGAGCCGAAAACCCATTACAGATCAAAACGCCGAGA
GCCGAAGTCCCCGATTAGGTTTCGGCTTGGAAATCGAGTGCAGGCTTGGTTTTAGCCGAAA
TGGTTGGCTCGATCCAAACAGTCAGTGCCAACTTGGGCGCAAAACAGGCGACGACCCAA
TCCCACGGCTCGGTTTCGTTTCGAGATAGTTTCGTTTTGGAGGGGAGCGGTTGAAAAAA
>EP77124 (+) Dm MESK2; range -499 to 100.

GATGCATGTGAGCCTGGCTTACGGATTTCTTCGATCAGCTATCCAGTTCTGCACGAAAGA

ATTAGTTAACAAATTGAATTTGACTCAATCAAACGCCAAACGCACGACGTTTCTCTGG
ACGCAAGAAACAGCTGATTAGTGATGGGTATTTATGTCTACCCAACCGCATGCTTGCTGT
TATGAGCATTACAAGCAAAATATTCACAATATATTAATAATATAGGTTTTGGATTATC
TATTACATTACATTGGAAGTGCAAAAATGTAACATTGAAAAAAAAGCATCGTAAAATAC
CTTTTTAAAGAAATGTAAAGTTTTAGACACCAATAATAAGTAACATTTACATTTTTAAG
TCAAAAATATTTAAGAATCCGATGTTTTGATAAGCGACGATGTATCGCTGGTCGGCGATA
CTATTTCTAAAATATCGGCTAGCTCGATAGCACCTATATGAAAACATCGATTCCCGATGC
ATCGATGTTTCTCCCATCACTATCAAATTTGCTTTGCGCTGCATCGAGACCGAGAATTA
AAGACTTGAAAGCAGCTGGAGAAATTACAAGAAATTGATCCCCGAAAATTACTGGCAATC
>EP77125 (+) Dm DIP1; range -499 to 100.

ACTTTTGTTAACACAGTGTGAAAAACATTTCTGTTTTTTGTTGACGTTATAGATTTTGCC
CACGCTGCAGACAGGCAAATTGTGTTTGCAAGTCATGAAAAGTCATGCGCTTATGGTTGC
AGTTCTATACTATTTTCTTAATACATTTGAATGTCAGTCAGTCAAACAAAAATGTAGGGA
ATTACCATGCACAAATTTAACAGCTATAATATTCTCGCATATACAGAAGTACTGTTTC
AATTCTAAATTTTCGCAATAACTTTTAAGCACTTCCAAGAGCATCGTCGTGCTATTTTT
AGCATGCTTTTAATTATTTACAATAAAATCTTTGGTCTGCTCTTTTTTTTCCGCCGTCT
TTCCATCATTTGCTTATATTACTATGGCCAGTGTGAAATGTCTATAATATATTTAATAC
TAAAAACGATTTTCGAAATATGTGAAAAATATCGATATATTTACATATATTTTGACATCC
CTACTTAAGTTTTTTACTTCAAGTGCAGTACGATTCTTTCTGTGACCTGAGCAGTGAAAA
TTAAATTACAAAAGCGAAAAAGCGAATTACAAAAGTAAAAATTAATTACAAAAAAAT
>EP77126 (+) Dm BTK29A; range -499 to 100.

CTCATTGATTTGCGTATGCTTCAAAGCAGCAACAACGTTTGCGGTTAAATCCGCACTTC
TCTTTGGCTCCGTTGCATTTTGCTGTTCCACTCTGCTCTCTCTGATGCTTTATTATTCT
CTATACCAGCTGTGCTCCACTCTGCTGACTCCAGTGTGTTATTTTGCCCCCTACTTGGC
AGCTCTCTTAAGATCTGCTGTCCCTCTTTCTGTGTAGAGGATCGTCCCCACAATTG
CTTTGCTGCTTACTCTTTTCACTTAAAAAAGCAAAATATAAACAAATTAATAT
TATAAACGTTTTCTGAAATTGTGCAACCTTTATTTAAAAAGTAGCTATTTTCGTACAGTT
ACTTAAAAATTAATTTATAATAAACATCAAAGTGATTTTTTCTCTGAGTGCAATGCTTA
CTGTGCTCTCTCCCACTCTTGCGCTCACTTCTTGAGCTGCTGAGAAGCGCTCGACGCTG
CGCGATCCAAATCCGATTGAGTTTCTTTGAACCGTCGTCGAGTGACAACGCAGAGCGG
AAAGCGTAAATCGAAAAGCGGTTGCGGTTTCGAATTTAGCTGTTGTTTCGATTGTCGCGC
>EP77127 (+) Dm LIM3; range -499 to 100.

TTACTCGACGTAAAAACACGTACATTTTGATGAGTTTTATAATCTTATTGCATGCAAAA
AGTATTATATTTAGTCGGGAATATAAACAACTCCAGATGCGTGAGGTTTCCAATGATA
TGCAACTTTTCGATCATCTTTGATAATCTCCCACTGGGATAAATGTGCATATAATATACA
CAAAAGTTAGCAAAACATCCAAGAATGAGATACGGTCAAGAAAAACGAGTGAAGGATATG
GAATAAAAACTTTTTCGAAGAATCGAAAAAGTTAAAAACCGCAGATGCATACCAATAT
GTTTCCATCCCACTCTCTGGCGTTATTTGATGAAAACGAAATAAACGAAGGAAAACTG
CTCCGTGTTGCCGATCTTAAGTTTCTCAACTCGGTGTGCTGAGCAGGAAAACTCAGTGG
CAGCGGCGAAAAGTCGACCGCGTTGCCGTGCCGTGTGCACTCACAATTATATAGACTAGT
TTGCTTTGAGCAATCTTCCAGTTCAGTACTCGGCGCTTCCGTGTGTGGTTTTAGTGCCTT
GTAGGTTCCGTTCTATCTTGCTATAATACTCACACCAACGGTTGGATATCGCCAGC
>EP77128 (+) Dm FUR1; range -499 to 100.

TTTGGCCAATAGTTATGGAATTCAAGATAATAATTCAACCCTTGATGCATTCCCACTCGT
TTTTGTTGTTTTCCATTTCTACTTTAAAAAACATTCATTTTCATCAGTCAGATGTGGG
TAGCCAGATACAGAGACCTGCTTTGGAACCCAAATAATGGAATGCAATAAAACAAGAGT
GCAGAAAAACGTACGAGTAATACGTGTATATATAGATATATATATATATATTTGTAGT
GAAATGGAATGTCGCCCAGAACGAAATTGAAAGTTCAGCATGAAACATTTTGGAAATAG
AAACCTGGCAGGGGTTAATTGAATTAATCAAAAACAACTGCTATGCGACCCCTTCGCG
GTTGCTATGTTTCTGCTGCTGGCTGCGCAGATCGGATTGAATTGAAGCACCCCGCATCC
GCATTTGGGGTCGCTTGGAAACATCTGAATTCGGATTTAGATTTTAGATCTGTGGATAGT
TGGATCGAATGGTCAAAGTAGTTGAGCCAGTTGCGCGTGGCAAGCGCTTCGTTGGCGGC
TCCCGAGCGAAAGGATCGCCACTAGGGGCTCTGAAAAATCGGTTTCGCGTAATCCGTAT
>EP77130 (+) Dm ARET; range -499 to 100.

GCCAAACAGTGGGCGCGCACTCAAGCCAAAGTCCAAGTTGTTTTAGGCATTGGAATTAG
CTTTAAAGTCCGTTTGAGCACGAAGACAAATCGAACGTATCACATTTACATAATTAAG
CAGTAGCAAACACACCCTAATGATGATGCTCTGCTGTTTGTGGTATTTTCACATGCATGA
AATACCTTATAAAGAGAACCCTTCTGTTTTTCAAATATTCATAGGATAAATTCCTCGA
ATTTATTTTTAGATTAATACGTATGTCGGCCTTGAGATTGAGCGATTTTTAAACTTG
ATCACCCGTTAATTTAATACCAATGCAATAGTTTGTAGCTATCTCGCTCTAGACAGTCT
CCACTTTTGATCCTCTCTCTCTCCATCGAGCTTTTGACCTTGAAGTCTGTTCTTTTTC
CTACGCTCTCTTTGGAATGCACTGGAAGGTCAAACTTCCACCTGACTCCATTCCAATCG
CCGCAACGATTTCTCGTTCATTTGTCCATCGACGATTGACCGAAAAGGAAGTGCGAGAAA
GAAGAAGAGGAAGAGGGAGGAGAAGCGAAGCCGCTGCGTTTATATATTAATATATAGCT
>EP77131 (+) Dm STAI; range -499 to 100.

CTAGTTTTGTTATAATTATTTTCATAGTGCCTGAACAAGTTTTTCCGGCACTTTGATCAA
ATTTCACTTTTTATCGAAGTCAAGGTGGCTTAAGTGATATGTCAATATTGTTAACCTGATT
CAAGTGGATGTACGTATGTATGTATATTATTTATAATTATTAATGAATAAAAAGCTTCA
AAAAGGAAGACATAATCAAGTTCGTTGTCTTGTGTTTTCTTTGAAGTGTCAACACTC
ATTCGTATTTATTTGAAAAGTTAGGATCTTACTTTGGGATTCAACAGACTTTTTTGGG
CGTACATAATAAATTCAAATTTGTCATTTGAATTATAACCGACAAAAGAAAACAAACAAA
AGACGCACTGGCGCCATCTCTTTTCCACTCGCACAGCTTCCAGGTGAGCAACAACAACAA
AGCCCAGCTGGTGCTCACCAGTCGCGACGCCGCGTCGCTGCTTTCTGTTTTCTTCTGCT
TTCTGTTTTCTTCTTGTCTATTGCTTAATTTTCGCCGACGCGATCACAAGTGTAAAAAA
CAACTGCCGAAGTTCTCGCACCGTATTTTAACTGTTAACAAATTCAAAAGTGTCCAGTGTG
>EP77132 (+) Dm CG1910; range -499 to 100.

GTACTCCTCCAGAATTGGCAGCACATCTGGATGACCAATGGCGCCCATGGCCTCCGCAGC
CTCGTGGCGCACCATCGGCTCCTGGGTGGTGTCTTTAGCACCTTGGTGAGGATGTCTAA
CGCCTGTGCGTCTGTCATCTGACCCAAGCAGTAGGCCAGCTCATGTTTGAGAAGGGCCGA
ATCATCGTCAAAGGCTTTGCTGATCGCCTCGATGGCCGCTCCTCCGCCGATGTTCTTCAG
CGTGAAGAGGGCTCGAAAGCGCTCTTTTCACTGGGCGTTCTTGTGTTTGAACGCCTCC
AATGGCCTCGATTTGCTGCTGCGAAACATTGTATGCGGTGTGGACTTATAAATAAAAA
ACTGCAACGGGCGCGTGTGTTGTCGCAATGTGGCCATACACTCAGTACTTGGTAATACC
AAAACACAAGTAATCGATATGACGTGGCTATCGATGGACTATGAGTCGATGAAACGGCG
CTGCCAACGCGTTTAGAGTACAAATTGTGCAGCACTAGCAAGAAGCAGTTTAGTTACGTT
TACTCCGTAGAAGCGCGATACAAAAAGTCAATAAAAGGGTGAAAAGCGAACGTTCTAGA
>EP77133 (+) Dm JTBR; range -499 to 100.

GTGGAGCAGTTCGGGGATCTCATTATAGAATTTGATTGTGGGTTTTCTTTCTGTTGGA
GGTTTCAATAGTTTCTGATAGTTTCTCTGTTTCTTCTGCAGATATCTTTCCCAAGTACTT
GACTCCACATATGAAGCATATCACTCGCAATTCTTCCGCAATTCCGCAAGCTCGAAAT
AGAATTGGAGGAGGAGGAGGAACGTAACATGGTTTGATGCGAGACACCTTATTGTTTTTC
CGTATTTGGAACACAGATATTTGTGCGTACAGAGAAATTAATTCAAAATTTGCGTTTAA
AAGGATAGATGTTGTTGGGTATTTCTGATAGCCATATTACATACGAGCACATGCAGACT
ATATTCAAAAATCTTAGATTTAATTAATTAAGCAGATGTAAACGGTCGAATTTGAATTGAT
TTTGAAAAGGTGGCAACTGTTCCGATTATGTCGATTGCTTATCGATGCACAACGCAGCCG
CTCGGCAACCCTGTCCATCAGCTGTTTGTGAAAAGAAAATGCATTTGGCATTCCATTTC
GAGATAATTAATAATCAATTACAGCAGCAGCAGCAGAGCAAGTGGCCACCGAAAAGAGTG
>EP77134 (+) Dm OSCP_1; range -499 to 100.

TGATCTCTACCCACAACAATACTGCTGGCCCTGGCGAAACCCACTGGTATATCCCTC
GAAATTGGTCCGCAACCGTTTCGAGACAATCTGGGCGCGTCTTTCGACCCCGCACCCCGC
TGTTTTTCCGGGAAGCGGCTCCATAATGACGACGCGTATACTTTACACACGGGCGGAAA
AAAAGGGAAGGCGGCGTCTGGCGGTGCTCTTTGCTGGCTGCTTACCAAGTTGCTGAGGTC
CTGCTTCTGCAAGTTCTGTTACACCGATCTGGGCTTCAGCCGTGGCCATGTTGCTGAT
GTTTTCAAAAACGATGCGTATGCAAAATGAAAATAATAATTTTTCAGCTATTACAGCTCGG
CATCAAATCTCGATATCGAAGAACGATTGGACCCGACAATGCCTATCGATAGTGCTCTAA
TCATGTTTGGCCAGTGTTGGACAGTCACACCGGTGCCCAACTGCGATGCGTATCGATAG
AGTGCCGCCCTATCGATACACTTACAGTTCTTCAGCCGCAACGAAAGGTTAAAAATCCG
CTTCGCTTCTTCTGCTCAACTGTACCGCGCTTTTTGTTCAAATATCTCGGAATTAC
>EP77135 (+) Dm OSCP_2; range -499 to 100.

AACGATTTAAGGACATATTTAGGTTTCGAAATAAGCAAAAGTCATACATCCATTAAAGAG
CAGCAGAAAATGAGAATCACCATTAAATTAATTTAAACAAATAAAAAGACGTAAATCGA
ATCTCAAGCCGTGTCTTTTTATGTAAGTAAAGAATTACCAAAGTATTCAATTCGATGTTT
ATAAAATAATTTATTACTTTATTAATTAATATTTATTAATTAATTAATTTAATAGCA
AATTAGAGGTGTTACTATTAAAGTAGATTTTGGGTACCCAGAAATACCTATCTTTTAATA
TATCCTTTAAGAATTACTTTAAAGTCAGAATATCATTTTTAAATGAAAATTCGTTTTTA
TTTAAGTAGCTAGTATAAATCTTAAATCTAGCTATTTTTTTGTAATCGATAACTGTCCTG
CAACCCTTACGCCATTCAAAACAACCTGCCACACGTCGAGTAGCAAGTAACGTAGCCCT
GGTCACAGCTGAGATTTTTAGCTGAAAAATTTGTCGGGATAAAAACGATGGCCTCTATTAA
CAAATTGGCACTTTTGGTATGTTATAATGCGAATAAATAGAAAAAAGTGAACAAGCTCCG
>EP77136 (+) Dm GEL; range -499 to 100.

GATAAACAAGACTACCGAGCAGTCGGTTCTGCTCGACCTGAAGCACCTGCTAATCGAGGG
CAAGCAAGAGGTCCCGGACTTCTTGACGAACTGGCACCTGAGACCGAACACCAGCACCT
GGACCTGGGTGACTCGCATGGCTGCACCTACTGTGGTGGTCTGGGCCATCGCATCACGGA
GTGCCCCAAAACCTTGAGGCTGTTTCAAGCAAGCAAGCTTCAAACATAGGACGTCGCGACTA
CCTATCTAACACCGCTGCGGATTACTAAACCACTACCACCACCAAAATTAATAAGTAATA
AATAGATTAGTATACATACATACTTTTCTGGGAACTTTTAAATTTATTTTCACTCTGTTT
TAAGTTCAGTTTGCTGCTTATCGCACGAAGCTTTGCTTATCAATCGTCCCAGCAACCCCA
GAGAGCGATCTCGGCCGACGCGCGCGCTTTGCGGCTTAAGAAAAATATTATAAAAGCG
AAGACGAGCTTTGGCTTTCTGTTAGTGTCTGAGGCAGAGCTCTGCATGCTTGTGTTTCA
AGCGCTTTTATTCAATCATCGCACTGGGATCGTGAGAAATGCGCAGATCGTATTGACTT

>EP77137 (+) Dm DP1; range -499 to 100.

GGATGGACCTGACTATCGATATTCGAGCCGATTATCAACCGATATTTCACTTACAACCTA
AAAATTTTTAGTTTTATTAAGAAATTCAACTAAATAGCATTTCTTGTCTTTCCGTCTGA
TTGAAAAAATCAATTATATTTGACTAACATACAAAACCTAACATTTGAATTTAATTCTT
AATCATTATGTGCATATAAGGAAAAATTTAAGCATTTATATCTAATCTTTATTAATTTG
CATATAAGGAAACCCCATATAACGATTATCATCTTTAAAAACTGGTGTGTTGTGTCTA
AGTTTTTTTTTAATATATTTTTTTTATTGTTACTATTGAATAATTCCTTAATTAATTTTT
GAAAATCCCCAAAAGAAGGCCATGGTAATAGACCAATAGTCGATAGTTTCGATTTGACAG
TTCGCGCTTGCAGTTGGTAAGAGCGACAACCTGCACCCGCTGCGGCGTATCGCCCATCT
CTATTTGCCACGTTTCGCTCATGTTTCATTACATTTTACTTGGAGTCGGTAACGTTGAGTT
CCGCGTCCGTGCGTTCTGCCTTCCAATAGAAAAGTCTGGGTGTGAATTTACCAAGATTCCA

>EP77138 (+) Dm RH01; range -499 to 100.

CGACACATTATTGGAAAGAGGTCTCTTTGCGCCGGCTGTCTATTTTTCTTGGATTTTTT
GGGCGACTCCATCTGGGCTTTTTGAATCATTGTTTCCGAAATCTTTCAGGATTGCTGGC
CACCTTTGAAATAACTTTTTCTTTGGAACAGCAGGTGGGTGTTGTGGTTTTTCCGGCTT
ACGGCGACCAAGGCTAGTTCTCGCTGTTTCGGTGAGCTGGAAGCTCAGTTTCATTTCTTT
CAGAATATGTTCTGCAAGCATTCCTTTTTCAGTTTTTGTGGAACCTACCAATACTTCCCGG
GCCATGCGACCCGCAAAATTTAAGAAGAAGAGCAAGAATAACATATGTGCGGTGTTACCAAGT
CGTGGTTCGGTTCATGGGAATAACGCGCACAGAGTTGCCATCGATGAGAACTATCGATTGGG
TTAATAACAGCCCTGCGCTCGAAGGCGTTGGTTGGTCATCGAGCGTTCATCCCGCTACCG
AGAAATGAAACGGATGAACATTGTTTCATCGTCATTTTGCATGGGAAAAAATCGTCGAGTT
CAATTCGAATTTTTGTAATTGCATTAACTTTTATACGATATAGCTAAACGGTAGACGCAT

>EP77139 (+) Dm ATP-ALPHA; range -499 to 100.

ATATTCAGATGGCAACTATCGTAGTGTATATTTTAACTGGCAGCTCCAGTAATTTT
CACGCTTGCAAGTTGATATAAAAAGTACATAAAAAGTATGTTATTTCCAAATTGAGGTGAAA
AATTAAACATATTTTTAACTTGGTATTTTAAATTAGCAATTATTAATGAGAGATTGAAA
TCCAAACATATCCAGATATTAATATTTGAAGGTAGCATAGTAACAACCTTCGGTAAATAA
ATATCCAGGTATATTTAAATACTTAACTTTTCAATTTAAATAAACAGACTGTTCCGGAC
TATTGACAAATTATAATAGTAATTTTATTCATAATGCAATTTTACAATTACATTTTCTT
AACCGATTGCCATCCCGATTTCTACACCGGCTTATTCGATACAATAGGCCGATAACTCTC
CATTTGGTAGTCACGACTTCTAAAATATCGATACGTTGGAATTGTGTAATTTTCCACAT
CCCTGGGAATAATCGAGTTAAATTAATAAACATGGCGTTAAGGTTCGGATTACGAGGTGA
GCAAAAATAAAGCCTGGATTACGATGAAAACTAAGTTAGTTAAGTGAGAAAATGGTTAAG

>EP77140 (+) Dm PUBSF; range -499 to 100.

TAGTCGTAGTCTTAAGAGAAGGGTTGAATAAAGAAAACTAAATGCAGTTGTAATTGAA
AAACTGGTGTGCTTACGTGCAGTTTGACATTAGTCACTCGAGAACGTAATCTTCCAAAA
TGTATGTTAAGAAGTGGCACTTTTTTTTCTGCAATGCAATTTGGTCCATTTTCACTACA
TACACTATACATACTGCTTTGCATCTTCTGAACCTATGAACCTCACTAGGTTAGCCAAA
CTAATCTATTTCCGGCTGAGTTTCGCTTTCGCTTAACTCGGGGATTTTTCGATTGACAGT
GTGGAATTGCTTGCACAGCCAGCTAAAAAGTTTATAACCGATCGTAATTTATCGAGATTA
CATTTTAAAATGACAATTTCCCCACAGTTACTCAAAACCTATCGGCTATTAGAGTAGCCA
GATAACTCAACTTTACTATCGAATAATCGAAGAGTGAGGCAATCGACGCGAAGTGCCACC
ACTAGTTCGTATCCATCTTGACAAAAATTTTTGCAAGCGTATAAAATTAACAAATCGTT
GAGTTGTGGACAAGAAATCGCCACTAGAATAACTGGAAAAAAGCGAAAATGGTTAGTACT

>EP77141 (+) Dm AXN; range -499 to 100.

GATTTGGGAAATCAAACAGGTGTAATTCATACATCAGCGCAGTCTCCTGGCCTCGCGTTC
AGTTTCCAGCAGCGACAGGATGTGCGCCACGCGAACAGGTCCTTTGACATTCGAATAAT
CTGGCGGCTTTGGTTCGCCGAGGAATCCACCCGACCTGGGTGCATGCCCTTGGGATCC
AGTGCCTCCAAGGATCTCGACACGCGAGCGTACTGAGGCTTGTCCATGCTGAATACGAA
ATTCGAGAATTGTTTCGACAATAAAGATTTGAATTTGAAGCTGTGAGTCTGCTGCCTTT
CCAGTCGATGAAAAATAGAAAACTATCTACCTTCTATCATCCCTGGCGCCACCTGTAGG
CCTTGTAGCGCAACATAAGTGCAGACGCGAACCAAGGTGACCCCAAGTCGAGCTGCCA
CCTTTGCGAGTGTGGCAATCCAGTTGGCATCCCCGAGGCGAGCTATCGAACCAGTTCGA
TTTCGAACCACGCAACTCTAGCATGTAATCGTTCTGCTCGCCGTCTAACATTTGTGTGCA
ACTACATTTGTTTTGCCATTCAATAAATCTATTATTTACCACTGAATAAGCGGCGCCAC

>EP77142 (+) Dm DLG1; range -499 to 100.

CCTTTGCTTGGATAGTTTTAATCTCTTTTATAATGATGAAATATTGTTGATAGATGG
CTTAATATTATGCAGAAAGGAAAAATAGAATTGAAATTGGATCATTTCAACATACATTTAA
ATTTAATTAGGTGGAAGGGGCTTAGAATGAAATAGTAGGTGTTCTTAAATGTTTATT
AGAATAAATAAAGTTATTCCATATCGATAGTATAGTGCTTCCACTCGATAAGTACCTATC
GGCAACTTTCCAATTGGAATTCATATTTACGCAACTTTGAACACACAAATGTAGCTGCCA
TTTCTGTATAAAATGTAATACTAAATGTAATATTAATGCATTTCTGCTAAATCCAAAGG
TAATACTTGCAATGCTTGCAGACCTATTTCCCGCGCTCGCTTTGAACGTTTGGCCAGGAC
TTCTGATTGGGCTGCACACGACGCGCGCTCTGGTCACACTGATCCCAACTAGAAGTACT
GTTCCCGTGAGCAGAGCAGAAAAACGTAATATATATTCTCCAACGTGCTGCCGCTACTTA

TTTATATTAACATAAAATGCCCGAAGGCTGTGCCAAACGCATGTCCTTTTGGCAGTGA
>EP77143 (+) Dm CG32423; range -499 to 100.

ATGAAGTAATATATTTGCCACAAGCTTGATTTCTGCTCCACTGTGCGAATTTTGTGTGT
GTTTGTCTGCTTCTTCTCGCGTTTTTTTTGGGTGGTGGCGCTTTGCGACGCCGCGCAGCGG
CGTCGACGGAGGCAGAACTGACGTCAAGTTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTAGCGTTT
TGCACACACTCTTTTTTGGTGAAAAATACACCCCGCCGCAAACGAATTTTCTTTTTCC
GGTGAAGTGGGGTGTGGGTGAAAGAGAGAGTGAGAAAGAGTGTGGAGTTCCGCTTGCC
GGCGCTTTTCTACAACATTTTGTCAATGCGCCTCTCTGCGCTCTTCCCGCATTCCGCCT
CGTTCATTCAATTCATTAGCCGCGCTCTTCTTACTCTCTGTGCGCATGCCTTGTGCGGCG
CTGCTTCTGCCGCGCTCGCCGTGAGCGCTGCGTTGTTGAATTCGCTTTCAGCTCGCTT
CTCAATTTTTGCCTCGGTTAGTTCGCAAGTTCGCAAGTTCAGAGTTTGTCCATTTCTCCA
GTAAAAAAGAGGCACTACTCTCTCTCCCACTTACTTCTCTCCGCTGTTTTGAGATCAGC
>EP77144 (+) Dm HTH; range -499 to 100.

CATAAGCCGTCTCTTTTGGCCAAAGCCAAATAAATTTCAAACGCGGCGAACATTGCGCA
AAAAGAGGCGAAAACTGAGAAAGAGAAAGAGATAGAACACCGCTGTACGGTACTGTATAT
GCATGTGAATGACAAGTGTGTATGACAGAAGAGGCGTACCAACAAATCAGTCATCGTC
GCCCAGGATGCGAGCGCGCTGCGCAGGCAATTCGCCGAGCGTTTCGCATAAACCATATA
TTCCTCTCGCTTGCACCTCGCTGAGTTATGGCCAAGAGCGAGTTAATGGCACAAATTGTTGC
ATCTGAACAGAGCGGGGAGCTGCATGATTGACAATCATGCCGACCGCTTGCACCCGTT
GACTTTGCTGTTGTTTGTGCTCAGCGCTCTTCTGCTGTTAGTTAACAGCGATGTTAGG
AGTGGAACACGTCGACTGTAGCGTAAATTCAAACGTATCTGGCGGGTTGGTTTTTCGA
TGAAATATCTTTCATCCGCACAGTGTATTTTGTGCTGCGAAGCGCGTACGACGTGTGTCT
GTGTTGCGTTGCGTTTGAATAAAAAAGAGAAGAAAAGCGAAAAAGTGTGCGCTCGGTGA
>EP77145 (+) Dm CYCB; range -499 to 100.

AAAACAAACCGAACACAGCCAATTGAAGTGATCAACTTTTAATTGATGCAATCAATGGAT
GGTGCAACCGAGTGACGACTGGCAGTCAAAGCGATGGCTTTATTAATAAGGGGAACCTTA
ACCAACTATCAATTTAATCCATGAAGTTTTCAATTTTAAAAATATGTATAAAATGGATTG
AGCTTGAATATCTAACAGAAATTTCAAACGTAACTGTTTCTTTTTCGGCTAATTTTAAA
TTTAAATTTGAAATTTATGGGTAGCACTGTTTCAGCCCTGTCATCGATAAGCTGTGCACC
AGTACTGGTCACACTAAACTATCGAAATATCGCACGTATCGCATCTCTATTTTGCAT
GCTCTGCTCTAATAAATCGATTATTCTCGAGCGCCACTGCGGCTTAAAGGGAACATAAGT
CCAGAAATCGATATCGTCAAACTCATCGGCATTTATCATCGAGTTTACTTCCATCCCAT
TCCCATTTTCAAATTCAAACGCGCAGCTTGGCCTCGCTTCTGTGCAAAAACTCGATCAGG
TTTTCGGAGAATTGACAATCCGCACTCGACTTGTAATTTATAAACTATTAGTAATCATA
>EP77146 (+) Dm CG32095; range -499 to 100.

CTTGACGGTGCCGAGAAACGCTTGTCTTCTGCGGATCGTAGTTCTTCAGGCCGATCTG
CAGTTCCACCGTCTCGAGGAAGCCGCGCTTCTTCTCGCCGAAGCCTCCAGGAGTCCATT
GACGCCCTCATACAGCGTATCACGCGAAACCTTCGACCTGCAAGATTGAACCAATTATCA
AACAAATGGAAGGCAAATGAACACTGCAAGCATTGGCTGTTTATCTTTTTTGTGCTGCG
GACTAATGCGCAAAATGAAGGCAGCCACATATTAGTTGCTTATTTGGCACATAAAACCAC
GTTTTTCTTTTGAATCATTTCCAACTGATATGGACATGGAAGAGTCTAAAAAGCTGG
TTTCTGATTGCCACTGATCACAGGATCGCTTAGAATTCAAATTTCAATTAATGTACCCAAT
GTTTAGTTGCTTTCTTTTACATATTAATACTGGATTTACACTTACGCCATCTTTTCTGT
TCAACGTGCGATTTAGAAAGGAAGTGAAAAATCGGTTTTTAGAGGTGAGAAACCTCTGGCG
ATAGTTTCTGTGGGCGCGTGTGCTTGTGCGAATATATATCGATATTCATTAATAGGGCTAT
>EP77147 (+) Dm MOE; range -499 to 100.

ATTGGAATTATGTTTTGTATACCTTTAATATCATCAACCTTAAGTCTGCAGACCTATTTT
TAAGTAATTATTGTGAACGAACACAGAGTGGAGGAGTTGTCTATATTTGACTTTCAAATT
AAAAAATTTGCTTCCACTGTAGGGTATGTATGTTTTTAAATTTTATCTCAATCTGTTTAC
ATAATTTCCGTAAATTTGAAAAATACATTTGTATTTATTATTTAAGAATTAATCTGTTTGA
TAGTAATTTCTGCCAGTGCAAGGGAGCACATTTACATTTTACAGGGTATCCCTCAGTCG
AACAAAGCTCTACGCTTTTTTGTGTTGTTGCTGGCTGAGCTAACATAAAAAATTTGCTC
AACTTGCTTACGCGAGGAGAGATGGCAAGAGAGTAAGAGAGTAGAGAGAAGAGAGAAGAG
AGAAGAGAGAAGAGAGTGTCCGAACGCCGCTGCCGGCAGCGACGCGGAGCCAAGCGCG
GCTGCGAAAAAACTGAGACAGTCGCGACGCGCGCTCGTTTCAAACAGACGTTACTTTCT
CTCTCTGAGCAGTCACTGATTACCGTTGTGTGCGTTGTGCCGCTGTTACTAATGCTGTTG
>EP77148 (+) Dm CDLC1; range -499 to 100.

ATAGTAATTCCTTTATATAAAATTAATAAAAAAAAAAATGTATACATAGATGATAAAATAAA
TCGAGTGCGTGCGATAAAATAAATTGATATTTGCGATAAGCTAAATCGAATGCACCCGAA
AAGTCAGCTGCTTGTATCGTTTGAAGTCTTATATCAGTGATGTCCGTCTTTAAATTGCA
TTCAATCGAATATTGAATACCGGTTATCGAGTGCAGGATTTAGAGAACATATTTGACTT
TCAACAGTTTTACGCGGATTTTAAATTCATACTCGACAAAAATTTCCCGGTTACTAGTC
AATTATTAGCATCCCTACATCGGTAAGTGTATCGAATCGATAATAAGCATCACTGGTGC
CAGACGTGCCCCGCAAGCGTGGCCTGCCAGACGCGGCCGTGTTCTGGCCAATCAGAGCC
GCCTACGACTCGTATGTTGGAGCTCGTCTCGTCCGTGCTGATTAAACGAAGTCGAAAACC

GAAATAGAAGCCGTCAGTCACTAGTTAATCACCAGCAAGCAAAACGTTTCAGTTGTGTTTCAGT
TGTCGAGAAGTCAGGGTGTCTTACCTTCCATTTACCGTTCCAGTGTAATTCAGGCGA
>EP77149 (+) Dm CTBP; range -499 to 100.

CTTCTGGCCGACATTTTGTGCGAGATCCCTAATCGGTCTGTTTAGTTAGTAAGAGCTATT
AACTGGCCGTTACTTGTAGAAAAACGAGTTCTTTGTTATTGGTACAGCAGTGACCGT
CGTCTTGTGTTTTGAAATAAACACGTTCTCTGGATTGCTGATCAGCGGTCACACTTCTTC
AGGGCTGCATTAAGTACTTAAATATCGTTTTTTTTTGGTATAATCATATATACCATTA
TACTTTTTTATTATTCTAAATAATAAATCACACAAATAAAATACAATACATAAGGTAACG
TAATTTTATTTAAGTGTGTTTTTTATTAATTTCCATAAATGAAATCGCATAACATATAC
AACTGAAACTCACGGAAGTCGAAAGTCGGAATTCTGCAATACCAACATTTCAAACATATAC
CATAATTCTTGCAAGTTTGCCTGCGCGCACCGAGGATTTTCGAACGACCCGTGTGCGGTC
ACACTGTTTCGCATAGCGTCATTGCTGTACTAAAACCTAAAAATCCGCCGTGTTTCGTATTC
CGCCATTTTGAAAGCTGCGAGTGGAATTTGGACGCGTTGCTGGTAAATTAATTGTGGGAA
>EP77150 (+) Dm L(2)06072; range -499 to 100.

GGGGTCAGGATTATGAAACTGATCTATGAGGTGACACATATCACTGGATGTTGATAATTT
TTAAATCTACACTATTACACACGGCTGGAAAAACACTGTGAAACAGCTTTTCCCAATTTA
CAATAACCAATTCTAATTGCACACATATTATGTTCTCCGACTTCTGGTTACATCAGCGC
CCAAACTGACCACCTGCCACGCCACAGCCCTCATCCAGCGCAGCACGAACAGTACTCGC
ACTCGCAATCAACTTACTTGCTAATATTAATGGTCCAGGGCGGGCGATATGTTTTAACT
AACTAATCTGGAATAAAATTAAGCAATGAACTGCGGCACCTTAGCCGCAGGCAGTGTT
GGAGAGCGCGCGGCGCTGGAACAGCTGCTGGCGGAGTCAGCTGTTTGGCTCGCTGGCTAA
GCAACACTGGCGCCATCACGTGAATCTCGTGGGCATTGTGAAGTGTCACTTTTTTCGCCA
GCGCTTTTCTCACCACACAATTCGTTTCGATTTGTGGGTGGCGGCGGTGATTTGCGCT
GATTTTTTGGCAAAGAAAAACGCACTTGCTGTTTTCAAATAGCACAAAAAGCACACCTGC
>EP77151 (+) Dm FAU; range -499 to 100.

CATTATATTGAGAAATTCCTGTGGCAGATTATAAATAAATAATCCGCCGAATGTTTTGA
TGTTTATCGACCCATATTTAGCCTATGCCAAATATTAGCCTTTCTCCATCTTCAGATGC
CATCATCATCAATTCGAGTCATATCCCATGCTAAATACAGATTCTAATCTTATCTATAAA
GTTCTGGAAGAAATCCGTGACGTCTGTTTTTCGAGATAAGGGCTCTATATCCTGGGAGCA
CTAGACTCGGTACATTTTATGTGTATATAGGCTTTTCCGAACGCAACTGTATGAAAAGTG
CTGGCTTTATGTAAACAGAATTCGCTCGCTCTTTGCGAGGAGAGATGTCAATGTTTCTT
AATTCAAAAATAAGTTTCATTTGGGAGATGGATAGAGAAAGAGGTATGGACCGAACGTGC
GAGAGAGAGCGGGATCGAAGGCTGTGAAAAATTTGAAAAATCAAAAAATTATAAGCAAGTG
CTCCGTGCGATTCTCAGGCAGCTCAACTGAACGGGCGTCAAGTGAACAAACAGCAACGA
CGATATATCCGAACCAAAATCCAACGAACATTCTATTTGAAAACTCTCAAAGCATCCAA
>EP77152 (+) Dm CG17836; range -499 to 100.

GAAAGTCAAAAAACAATTTATTTTCATTGTGCAAAATGTATGTATCTAATTATTTAATA
GAAATGATATTGTGATAGGTCGGTCCACCCAAGCAAACGATTATGACTCATGCCTATAAT
ATATCTCACTCATGAATACTTAGTCTCACTAAAATGTACTTTGCAATGTTTGGTTCCGTA
AAGTACATACTTACATACAAATATGAAAAACACCGGCCGGCTGTGACAAAGAGCCTCCAA
CTTGATAGCTCATATGAAAATAGTATATGCCGGGGAAATTTTATAAAAGCAGGCCATCTGG
CGGCAACAGGGAATTTTAGCGCTCTCTTGCTTGCTCACAGCGAACGCTTATCTGAAATAC
ACCGACACACACCGATAGGGAAAAAGTATCTGGCTATGGCAAACCTGGTTTGTGGGAGCTTT
TTGAATTTCAACGAATGAAATTCACAGTGCACAGCAAATCCAACAGTTTCATTTCTGT
TCGCCACTAGCAGCCGTTCAAACGTAAGTGAATACTCCAAGCAGTCGGTTGACTCAGAGA
TCGCACAGTGAAGTTAGTTCTATAAAATACATATAGAATACATATAACCAAGGAAACCCA
>EP77153 (+) Dm MY061F; range -499 to 100.

ATAGAGTAAGCAGTGCTAAGATAAAGAAAGTGAATAGATTATAAATCATATAGAATAATT
CTTGATTAGTTATCTAAAAACCAAGAACTGGTTTCGCGTAGCTAGGAGGAACACATTAT
GAATCAACTGAAAAACATTGGGTTGCTCGGAATGATGGGAGATGGGAACGCATATATCTTT
AGGATTGACGCATGCGAAAAAGACGTATCGTGATCTCAGGTACTTGGAACCTCCGGAATAC
AGCCGATCCGGAATTTCTTGGTGCGCTGCGTTTCTGTATGGTCTCTAAATCGGGTCCC
GAGTTTATTCGCGAAAGGCACTATCTAATCGGGGACTGATTGGCGGCATTGCCCTCCTCA
TCGCAGTCATAGGTATATTATCGTTGATAAATGTGCCGACTAAAAAAAAGAACAACACA
AATTCGACGAGGCCAATTGATATGTGGAGAGGAGAAGTATTGATGGTTAAAACGCCTCA
ACTGCCAGCGGATCGGTTTAGTTTGCCAAACGGAGCCGTCAAAGGGCGGAATATGCGCGGA
ATCTGACACATCTCCAGAGAATCATCAATTGGAGCTATCAGTGGTGTGTTGTGCAGTAGT
>EP77154 (+) Dm ARU; range -499 to 100.

AGTCAGCTGCTTCAAGTCGGAAGAAGGAGGATGGCTCCTCCTCCAGCAAGGTGGACGTGA
AGGCCCTGAAGGCCAAGCTGATCAAGGCCAACAAGAAGGCGAGGAGCAGCTGATAGTTTT
CCTAGTTTTAATTAGTAGTAGGACCTATTCAATAAAAAATTGATTTTCTGAGCAACGTGTA
AATAGAAATCTTAAGGTTTACTAATGGGATGAAAAGTTTGTGGGACGAACTCGTATTAA
TTCTAGTTGTTTTTAAAGCCAATCTCCAAAAATGCAATGGATACATAATGCTAATTCAG
CATATAACATGCTGAATACCTTACTTGTAAATAAAATTAATTAATACTTATACAATA
ATTTTGATTCTATTGCGGTGCCGCTAGTGTAGAGAGAGATCTTTTCTCCTCTCTCTC

TCTCTGTGCGACTCTCTCAACAAGTGGCTTAATACAAATATATACAAACAACTCAAAAGG
CCAGCGAATGAGCCAAGTTAGTACGATTTCTGGTACCGGACTGACATGTAATAACCGCGC
TTAAACAGCGGATGACGCTCGCTGCGTTCCACAATAACAACAAAAACAGTATCTGAAAA
>EP77155 (+) Dm CG11739; range -499 to 100.
CGACTTGAGTATTGATCCTGGTCAACAATATGTATACCTTATATGGTCGGAAACGCTTTC
TTCGACCTGCCACATAGTTTTAAAAAAATCTAGTACACACTTTTACTCTACGAGTAACGA
GTAAAAAATTAATTTTTAAAAAATTGGTTGATATAAATCACCATTAGTAGGCCGTGTTTC
CTTAAAGGTGGCAAAAAAGTAAAAAATAATTTCTGAATCCAAATTTGCAGTTACATA
TGGGATAAAAAGGCGAAAGCAAAAAGGAGCCGACAAAAGTTATTTAATATTTTAAAGGGT
AGTTTCCAAGTCTATACCCGAATCTTCAAATGCTGAACCATCACTAAAGCCCAGCTGTTG
AATACCGCGCACGCACCAAAAGCTCTCTCCCACTCTCTCGCCCTTTCCAGCCCTCGCATTC
CAGCTTTTCCCGCCCCAACAAACCGGCTGAAGAGGGGAAAGCTTTCTAGAGCTCCAACCT
GTGTGCGGTGCTTCCGCTCAGTCGTGCGTTGACTTCAAATTTGGTAGCAACGTGTGGGTG
AAAGTGCTCCCGCTGGAAAATCCCTTCAAACCAAACGGTGCGTGGTGTCTGCTACCTG
>EP77156 (+) Dm PKA-R1; range -499 to 100.
ACTGGGCTGATGAGCTTGCTTAAGTTTTCTGTTGCAATTTTTGTGCGATATTGGCGCGTT
GTGGATCTCAATTTCTCGTGGATTGAGAATCGATCATTGCTGACTTAGTGGAGCATA
GATGCCCTGGTGGCCAGCGGGGGCAATAATTGCGAGTGACGATTTTAGCTGTCAAAAA
CAGAGAACAAGTCCGGAATAATCAATACCAACCGGACAAAACCAATGGTAAATAGTCCGA
AAAAGAGGGAATCCCAAGTAAACCCACCTCCGTTGATTGGCTCAAACACGCTTTGACAT
CTAACATCCACATTGCTACTGCTTTTATCTTTATTGGATTAGGCGAAACATTAATTCCAA
CGAACGAAAACACCTAGAAAAAGCTCTTCTTACCGCAATTTAAATTCGGTGCATTGTTA
TGCACAAAAGATGTTATCGATAAGCAGTGTGCGCAAAGTGAAACCTATCGATATGAACG
TGACCATATCAGACGCTCACCCTGCATGCAGCCAAAAAACAACAACGTTTGACGTG
CGTGAAAATTGGTTAAGTTTTATGAAAATAACTTAGTTAACTGACTTTCCGACAGCCATC
>EP77157 (+) Dm DSP1; range -499 to 100.
TTGATGCATATCGGTTTTGTAGAATTCGTCGCATTAACGAATGTAGCTGGCAGTTAAAAA
TAAGATATGTATGTTTTAAATAAATTTTGGCCCTAAGAACTGTGTAATGTACATATGCAT
ACATACAGTTCTGTATTTTCCCACTCCACACACTCCATAGTTTGTATGTTTGGCACG
CCAGCGTTTATGTACATACCCGTGATCGTATGTTTGTATGAAAGTAACAGGCCAAAAAGT
TTTATAAGGCCTTTTCCCTCCACCACGTGTATGTACATATGTATGTATATGACACTGAGC
GCTCTCTCAGCAACACTAATTCTACCAACAAAATGACTATAACGACTCTCTTCGCGCTCT
CGCTCTCCCGCACACACGCAACGCAAGAAATTGCGCACACAGTCCAACGCAACGCAA
CGCATACACATTTATCCGCCCTTTGGATTGGAAGCACAGTGAGAAGTAAGGCAGAGA
CGCAATTCATTTCAATTCATTCTGTTGTTGGTACGAGCGCGCGCAACCAACCTCATAT
ATTGTATTTTCCGCATTGCGATTGATACGATACCATACTGTGTGCTGTGTAATGTGTA
>EP77158 (+) Dm (RPS14A; range -499 to 100.
TATTTATTTATTTTGTGCGGTGCTTGTGATTAGACCGCTGCCAATCGACTATTACGCT
ATCGATACTTAGAACCTTTTATATAGAACGCAGTGTGACCATATGCGATATTTGCGTATT
TAGCATAGACTCCAACCGACACGATGAAAAATGTGGCCGTTGTGAGATATAAATGTAATAC
CATTAAGCAGATACACGAACCAACATCGATAGAAGAGTAGCCCAGACATCAACCGTCTAC
GAAAAATAAGCGCAGAACTGCAGTTATTCGGTTTTTTTTGGAAGTCTTTCCTCTGGCGTG
GCTTTTAATTATAATATAAGTCTATCTGAACTAATAAATGTTTCATAAAAGTGCTAAAC
CAATTAAGAGACGCACAAAAAAGAATGCATTTTAAATCCACCTGGGGTTTGAAGCCCCG
ACACACTCCCTATCGATAAGTATCGCCAAACATCGCAAACTCAGCAACCTGTCAATTT
TGACAGCTACGTCAACCTCTTTTTTGATATCCGGTTAACGCAAGTGGTTCGTCTTTAAT
TTTTCCCTCTTAATTTTGGCAAAAAAACCAGCTTTGAGCCCTAACTTAAAAAATG
>EP77159 (+) Dm ARM_1; range -499 to 100.
TGCCCTTCCTTATAATATTTGGGTTGGAATAGCCACCATGGTTATGACCTTTACAGGTT
TGCTGGTGCTAGAAGGTGCGTTCCGTAGTGTACCAGAGATCACGTTCTTATCGACTCG
TTTTAGGCACACTCCTGACCATTTGTGTCCATGGTGTCTTCGCTGCTGGGAGGACTAG
TCATAATGGTACCTCTCTTCCGGTGTGCGCGCTGTTGCTGCCTATTTCCGATTTGCCAGG
TGTATGGCTATGTGATGGAATAGAGATCCATAAGAGCGCGTGGGTGCTGTTCTTTAGGG
ATCAACGGAAGCGCGGCGATCCGCCGCCAGCTGCTGTGACCATAACCGATGAACCACTT
CTACGACTGCATAAACCAATATTGCTTGCCCACTTAAATATGTATTAAGAAATTAAGA
CCAGTGTTTGAATACTTTTGGAAATTTAAAAAGTGCCTTTCTATTTTGAAGCAAGTTGG
CAGCCACCTGCGATAGAGGAGTTATCGGTTATCTGTTCTGCGCTCATATACAGTTTTTC
ATAGTCGGGGATTTTTGTGCAATTTAAATATCTAAGTGCCTCAAAAGTGCCTTAACCTGC
>EP77160 (+) Dm ARM_2; range -499 to 100.
AGTTGGCAGCCACCTGCGATAGAGGAGTTATCGGTTATCTGTTCTGCGCTCATATACACA
GTTTTCATAGTCGGGGATTTTTGTGCAATTTAAATATCTAAGTGCCTCAAAAGTGCCTTA
ACCTGCCTTTGAGCAGATAAATTTACTTTGGAAGCGGTAAGTAATAGTAAAGTCATAGAT
ATTTCTTTAATTCGTGCCCCAAAAACAATAGTTTTTGGTTCGTACCTGTGTTGTCATACAC
CCTCATGTACACTCAGGTGCTTGTGTTGGTAAATGTTTATACAAGATAAACGGTGAGTTC
GAGATAACATGATAACATGAAGTAAATAAATTCGCCTTAGCTAAATTATAAATATTGT

GAATTGAGTTTCTTAAGGATGAAATGCTATACAAATTTCTGAGATTTTTGTGTTCTCAG
AACAAAAAAATTTGAAAAATTCCTTTGGCCTATCGCACAGGGCCCATCGAGTTATCGGG
ACAGCAGCAGGCCATCGCTAGTTGGGTTTCGTCGCCATATACAGTTTTTCTCGAGCAG
ACAATTCGCTGTTATTTTGTCTTATAGCGTTTTAAATAAATAAATCCTGCTCTAAAGC
>EP77161 (+) Dm ARM_3; range -499 to 100.

ATCCGTTTGGAAAGCCAAAGTTTCTGTGTGCCATGAAAGTTGGAAAGCCATGGCAAACAA
GTCGGCGCGGGGGTGGGCAGGGGTTCTGCTGGATGTGCGCCTGTGTATGTGTGTGTATG
ATCTGGATACACACAAACGGCATTATTTATGTATTCTCCCCGTAAATCGGGCGCTTGTT
TTGTTGCTCGCTGGAATGTAAACAATGCCACAGACAGGAAATCGTTTTCTCGAATCTAG
AGGCAGGCTTATCGTTAGGTGTTTTATCTAATCGACAACGAAATGGAGTTGGGATTCTT
TCTGAGCTGCCTACGCGAGTATGTGTGTGTAGGCACAATCGTTTGGATGTGTGGCAACTC
TGCGCAGCACTGCATTTGTATGCTGCACTGCCGCGGCCCTTTACTTTCTCTCCAGTCTC
TTTCCCTGTCCCTTTCCGCACTCCGCACGCGCGGTGTTGCAAGTGCCCTTGCTTTGCTTG
CGCTCTCCGCATCTGGATTCTGTTCCGTTTAAACGAGCGTGCTGGTCGGTCGCATTTTCC
GCTGCGCCTTTTTCGAGAGAAGTGAAAAATCCATTTTGTTTTTTGTGGAGTGCATGAGA
>EP77162 (+) Dm CUL-1; range -499 to 100.

CAAAGCAAACGAATCGAAATTGAAGTAAATGCGTATGCCTTCTATACACGGTCACATTGG
TTTGAGTCCTGGAGGAGTTGTGTTTCGTACGGGCATTAGGGTGAACCTGTATAAGACTAT
ATAAGCATACCTAATTATTTGAAAAGGGTTTTATTATGCAAGTGCTAAGACCAATCGTT
TTATATAAGTATAGATTGTTCTCAAGTTCAGGAAGTGTGCCAGGAAAATGACATCTA
TAAGAAGTTTCTGTAACCGTAACGGATTTGTAAATCTAAGATACGAACCGCGTTGCC
GATATTTTACATCAGCTTTGAAGAGCCTAACAGCGATATTTGATATTATAAACTATAAT
ATAACTGCTTTCCGTGTAAAGAATTCCCTGAAAAATGAGATCGCCACCAATAGTGGCGCC
CAATAAATAGATCGCCAACGATAGCTGGTCTTAAGCGATACCACCGTCGAGGGCCTTGCA
GCGCAATGGCCGAACGGTCACACATTTTAATAGTTAGGAATAAACGAAAGTTAGCAATTT
TCACAGAAAAAAATTAATTTAATTATAAGCAAAGCAGTGAAACACAATTTTAATTTA
>EP77163 (+) Dm BCDNA LD08743; range -499 to 100.

CTGTGTAATGTACAACGATTGTTTATTAGGAACAGGCGTGTGAAATCGTTCAAAGCTTA
CGAAACAACCTTTAAGTTGCTAAAAATTTTAATTCCTGTGCAATAGAACAAATGTTTAT
GTCAAAAAGTTACAGCTATTTAAGAAATACGGAAAACACAAAACACACATTTAAATGT
ATAATGTATAACAAAACAATTTATTTTATTAGTATTAAGGGTTGTAAGAGTAAAACCAAGT
AAGATTGACACAGCTGGGATCAAACAAAGCCGCTATCTAGTGCATACCACTGTTACACT
TTTAGTGGTGTTCATATAAAATATTTCTTCTGAAAAATAAATACGTTTTATTGCTAAAT
TCATGCTGTCGTACATTTTATATTGTATTTTTTAAAAATAACAGTCGATATCGCTATATA
GTGGACCACGGACTATCGTTCATCTCTAGCGCCTATCGATAGACCTCCATGCGGACCTGC
GCTGGGCGGCCGATGCATCAGTGACATTTTACATCCCTAGCGCTCGCTCGTTTAGCAGA
AGACGGTTTTTTCATAGAATTAACATTTCTTGTTTAAAGCCAGGAATCATTTAGTTCTCC
>EP77164 (+) Dm CG11876; range -499 to 100.

AGCTAACTAACCAAGGTTGGTCCAACCTACTACCTCTTTTATGCCTTAATCATCTCTATAC
GTGCCAGTGCAATTAATTTATATATGCTAGTTCTGGCCCACTATGCAAAATTACAAATA
AGAAATTCTAAAATTTTTCACGAGAGCTGCATTTTTGAGCTGCAATGCTGCCAATTGT
TCTTCAACAGTCCGGCCAAAACCTAAAGATGGGGCTAGCAATCATTTACTTTTGAAATACC
TCTTAAATAAAAAAAGCAAATTAATTTATATTTTAGATATTATCACTACTTTATAAAA
GAATTTTTCTAAAGAATATATATTAATACGAAGTGGCTAATTTTTTCGAAAATCCAGCTA
ACACAGTATGAATTTAGCCAAATCTAGAGTGGCCAACACTAGTCCCACTTAACAGTGATT
TATTTGGCAGCCTGGTAAGTCCAAGTGTGCCACAAATACGGCATTAAAGTGGTCACAT
CTGGTCACATCCCATTTTACATCAAAATTTTCGACGGAAGTCGGTGCCTAAACCCATAGC
CCATTTTGTAGTATAGCAATTAACCTTAAACCCAAAAAATAACACCTACAGCCGGCAACG
>EP77165 (+) Dm CG14995; range -499 to 100.

TTCTCATTTTATTTCTTTCGAATTGGCTTATTCCATACGTACCTGTGGCCCAAGACGAGAA
AGGAACTGTCATATTAATACTAAGCAAAAAATATCAAAGGCCGAAACATTATTAACGTAAC
CACATGTTAACAGTAAGCACATATTTTAAATGAGGGTACAAATATGAAAAGTGATCGA
TATTTATTTTTTTCCAGAAATGGGGGTACACCGGCCCAATGGTCATCTCTAAGTTATCG
TAACGAAAAATATAGTTCTGTTGTTTTAATAATTTTAGTAGAAAGCAAATCTGCTATTAT
GAATATCAATTTAAATTAACGCATGTTCCAGTTAACTAATTTGTTATAAAGCAAAAGTAC
ATGCATATATAAAAAACAATACTGGTTTTTCTCCTCTCTCTCGCTGTTTCGCTCTTTCCG
CTCTTTTTCTCCACACCGCATTCGTAACAAAGACAATGAAAGCTCCAGTTGAACGGCTA
AAGAGGCCTCAAAGCCCCAGATTGTTTTTCGCCGTTGAGCCGAGCGCACGTATTCGAAA
AAACAATAATAGTGATAATAGTGCAGTATTGTGTAAACACGCGCTCTCTGCTTTCT
>EP77166 (+) Dm CKA; range -499 to 100.

ATGCAGATTTTTATTAATTTGATTAGGGGACAACAATAAGCAACACTATAGAAGGCAGAT
CGGTTGGCGACTATATCTTCTATGTTTTCGATTGTTGGCGAGTAGGAGTCTCTGACTC
GCTGAAATAAGCCTCTGTCTTTTGTGTTTTATCAGCGGGCTGATGTCGCCTAATT
TTGAAATCTATTTCTTTTTGTTTTTCGGAATGATCTTTTATAATGATGGACTTAGAACC
TTTTAAATCCCAATCGCTGTTTGTGTTGGGATTATGTGTAAGCGTTAATATATATTTT

ATAATGAAACCCCTTTTGTCAAAATTAATTGTCCTCGAGTAATTAATTAGTACCGAGTAT
TTGATTATAAATAACAACCTTTTTTAAATAAAAAATATATATTTTTTAAAACTTATTTTTAA
AGTGAGTGGTATTAAATAGGATTTCTTTCCCTGAAGTGGTATCATATGGTATTTATTTT
TGGTCCCGTGGTATTTTTTATCGTTATCGGCGCGGTACGCTGCTAAGAATTACATTACG
CGTGAATACCAATGAAAATTAAGAGAGAAATTGCAAAACACAGCCAAGCGGTGCAATAAA
>EP77167 (+) Dm BCDNA LD33829; range -499 to 100.

TATTTAATAATAAATTAATATATTTCACTTAATTAATAAAAAGTGTTTTAGAAAACTA
GCACTGATAATTTTAAAGTTTTTGAATCGGTAATGTCCTTAACGGTTCACAAGATTGAAA
ATAGCAAATCAGACTGAATAATAATAAACTGAATAATTATTTATTCATTTTTTAAAAAGCG
CGCCAACCTGCACCTGAAGAACATGTACAGATCTAAGTTACGTATTTATTGCGGAACTTTT
TTCACTTTTTTTTCAAGATCATGGCAAAAAATGAGTGTTAGCATGGAATCTATTTAATTA
GTTGTTCTGCAACCGTAGTGTGTTGTAATAAATAATTTAATACGTAATAGTTCCTTGAAC
ATTAGGATTATTATTTTCGAGAGTGTAAGTTCGATTTCAGCGCAGGCACTTCCTAAC
ACTGGCGCATGCAACACTGCGCCGCTGAAGCGAGTGGCCCGCGATAACAGACCCTCGACA
CATCGATAGGCGATAGCGCAAATTCATACCTGAGACCGACGCGGTCTGTGTGTCGCGGA
TAGGAAAATAGGAAATTATAAATAGAAACGGGCCGTGCCGATGCCCCAAAAGCCACCCAA
>EP77168 (+) Dm GP150; range -499 to 100.

CAAGTACCTACACTAGGAAATGGTGATGAAATAACACAACCTAACACAACCTGTGAACAAAC
AAGCAATTCAAAAAATTTTTAATTTTTGCCTAATGCATACATTACAGACGCCTTTTAGATA
GGCAAAAAAAGTTGTTAACTTTTATTTTACATTACATTCTGTCTACACCAATTTACTCA
ATTAGGCATTTCGTAGCGACATCTACCGCTTATTTACAGTACCATTACAGGGTATGGTGT
ATAATTCGGGATGGCAACTGTAAGATACGGGATTTTGCCTCAAAGTACGTTATTTTATA
TTATGATTGGTATTTTTAGTGTACTTTTTGAACATGATATTTTAAACAGAATTAATTGTTT
TATAATTAATTGAAGTCTCCGCACTCTGAAAACCTCTTACACATCGATATAACAACAAC
TTCGATGATCGTTGAAAATATCGATGCTTCGTCTATCGATACTGACGAACATCACTATCT
TCAACAAGTGTGAACCTCTCAGTTGAGTTTTGAACTTCAACAGGTGTTGAATACGCGCTAG
ACTAGAAAGCGATCCCACGATCAACCGACTCGGTAAAGCAAAAACAAGCCATCGAAATCAA
>EP77169 (+) Dm CG11109; range -499 to 100.

ACGTTAAATACAATACACTGGGTGGCAACCCTGGGTAAGTATTTATATCAATAAATATCT
ACAAAAGAATGACATAATAAAATGAAATAATAAAAAATAATTTTGAATTTCTTACCTAAT
ATGAACAAAAAAGTACAATATTATTATTATGCGCCCAAAGTTGCCACATCAATAAATA
TACCCACCACGACGCGTAATTGGCTAACTAAGTGCACCGCCACACGGGCGAACTGAAAAG
GGCGCTACACCTAAGTTTGGGCACCTTAAACCGTGCAAGCATTGAAACCCGCGTTTTAT
ATCATATACTATATTTCGAAAAAACCTTCGAAATCTTAAAAATTTACTGGACTGCAAGTTAGT
TTAAAGCTATCGACAGGCAATACACTCCCAGTAATATTAGGATTTAAATAGCTTAGCACA
GAAGAGCATTCTAAGGTCCGCACAGCCGGAACCAATCATCTCTGGACAATTTCCGTGCA
GCCGAATTTGCTTTTGGCATTTCAGAGTTCGCGCGTACAACCTGTGAGCAGCAGTGGAGCT
GCTCGTGTGAAAAATCGGGAGTCAGTTAAATTAATAACCGTTTGAACAACATTTCAG
>EP77170 (+) Dm BCDNA LD22339_1; range -499 to 100.

TTGGCGACCTATTTCTGTGCAAAAGCGATTGCAATATAATCTGGAAAGTAAATAATTATA
ACAAAGTAGCTACACAAGAAAGCGGTTTAAATACAGAGCTTGAATCATGAAATATTAATA
AAAACAGATACACAGTGGGTATTGCTTGGGTAAATCTCTTAAGTATTTTGAAGGATATT
TAATCCTTCAAGCTATATGTTGCTGATGCGAAATCTTTCGAATTCATTAATATCATCACA
AATGTTACTTCTTTTAAATGATTTAAGCCATAACCATTTTTGCCCTTTAACCTTTAACT
TTACTTATTTTACTCACTCTCTCTTTTGTGTCAGTGTTAAATGCAGGGCGCTGCCAGAC
TGCCAGAAAATGTTTTATCCAAGTTTATACCAATACAGTAAGGCTCGGAGTGAAACCA
CGAATTTTCGGTTTACCCAGCCCTGATGACTCAAGCAAGCAGCTGACCGCCGCTGCTCGAT
GGCATTTCGCGTGACCTGGTCACACCGACGCCAACAGCTGCTCGCGGTCAGAATAACGA
AAAGTGTAACCGAAAAAGACAATTGTGCAATTGCTGCGAAAAGCCAACACAATTGAATA
>EP77171 (+) Dm BCDNA LD22339_2; range -499 to 100.

GTAGATAACAGTTTATCCCATGACACTTTATTTCTCATTTTCTCAGTCAAATTAATCGCA
TGCAATAAACTGTTCCGAATTGTTGCTCATGACAACAACACTTACGATTATGTATTTC
CTCCCTTTCTCACCTACAGACGCCACTTGACATCACGTGTTTGACTCAGGCTACAAATT
TGTGGCCACGATCTGAATTTGATCTCATCTGTGGTCGCGATGTTCTCACTACAACCTACA
GCAGTTGCTCCGAGCGACAGCAAGCGGCGTGACGTGCGGAGCCACAAAGACACTGGTAAA
AATAATTAGTTTAAAGTATAATTAATAATCAATTTGCATGCATATTTGCTTAAATTAATA
CAAGATTAGATTTGTATTGCTTTTATCATTTAGTTTTACAACGCTAGATTTGAATAACC
CACATATTTTTTCAGTGACAGCCACAGCGTCTGCCGCCACAAAGCACTCTAGTCAAGCG
AAGTTCGGCGACAACAGCAGTCACGGTTCGCCATCGCACACGGACGGTCGCAGTCACGGT
GAATCAGAGTCGGATTTGGAGTCGGCGCACGGCCAGAATTTACATCACACCACTTAGCC
>EP77172 (+) Dm VLC; range -499 to 100.

CAGCGCTATCGTCTGGAAAACAGCTAAATCAGTTGTTTACTGTTGAATGTAAATAACAAT
TTCTGCCTTCTCGTGGCTTCAAAAAATAAATTGCAATTTAAATCCTTTTTTTTAAACGA
AATCCAAAAATTTGCCTAAATCGAATTCGAAAAAATATTACGTATGCCGAATGCATGT
CCGATATTTGTCACATCATGATCACGAACAACAAATTTACATTTTCTTCATCTTATTTTT

TCCATGGATATAATATCGGACCGGCTCGGTTTGGCTTACATGAAAGCTTGATGCAAATTG
CTTTAAAATTGCGATTAATAAGCATTGAAACGAACTGACGGACTGTCTTGTCAAAGCATA
TAGATAGTTTTCAAGCACCCCTGTGTTACATTTTACAGTTTCACTTTTAACAGAATCTT
ATCGCCGTTACCTTAACACTTGTCTAAAAATACCATGCACTATTTAATCTTAAATGCG
AAGCGGTCGGCGAAATGGCGTTTTTAATGTCCAGGTCATGGCAACACAACCGCTGTTAC
CGATCAGTTTTTATTGGTTTTAGGAATAAGTAAATTGGATTATTGAAGGCTTCACTTGG
>EP77173 (+) Dm ARALAR1; range -499 to 100.

CAATACTTGTAGGGAAAGTGTGCTCATGGTTGAGATTGCTTCGCTGTGCACCACAGCT
GATCTACATACAACTCAGACAAGCAGTGAATACTATTTAAATAGTTACCTATTTAGTA
AACTTAATAGAAATAAATAAAAAATATATATGCAACGGATTGAAAGATAAGCAAACATTCT
GAGGAAATTAATAAAACATTTTTTGAACCAAAATATTTTTTTTTTCAAACATAATAGAAT
GTTATGATATATTTTGTTTACAAGGGAGTAATATTATAGAAGTAAAGAACATATAACCCC
ACCCTCTCCAGCATAACGATCATAAGAGAGTCGTTATAAGAGAGCTTATTGACATTGAA
ACGAGCTGAGCAAATAAGAGTTTGGTAGACAGAAAATTTCACTCTCAGCTCTCCAGACT
CTCTCCAGCGGTTCTGCTCATGTTGGGGGCTCTGATTCCGGCGGTTCTTCGCTCGCCAG
TACGCTCCACTCGCAGTTAGTTAATCGCGGAACGAGGACGAGGTGGTTTCGACTCGGGCG
GATTGGATTAGATCGGCTTGCAATTGATGAGCTAATTAGACGCGGGAATTGCTCGCGGAAA
>EP77174 (+) Dm RHOGAP71E; range -499 to 100.

ATTTTATAAAGAATTTAGTTTATAGCTTTACAAATGATTTATTTAAGAAATACATTAGA
GACTTATATATGTGGCTAAATAGCGTATTAGTATATTATCAAACGATTTTGAAATTTTCT
CATACTTTCGTGAAATATTTATGAAATATATGTTTAATAAGCAACTTTCTGCCTCCTGC
ATATCGTATGAAATAACTAATAAACAGTTAGCAGTTAAGTAGATTTAATTTTATTGTG
CATTTGTATAAACTTTGTTAAGCCAAGTCCCTGATAAAAGTAGTAACATTATGATTTA
TTCGTTTTTGGTATTGCATAAGTGCGTTAATTTTTTTTATATCTTTTTATCTTTGGCTTT
GGCATTTTGAACCTTAACGAATGCTGGAACACCCCTACTATCACAGTACTTGTGCAGTAT
AATTTCTTGGTATATTCCGTTGGTATTTTCGACGCAAGCGCTGAGCCTCAGGCATTCTGC
AGCTACCGCTTGATGTCCACACTCCGTTTTCAATATACAGCGAAAAAAGTCGAGCGTGCG
GGCGAGCGCAGCAAAATAATTAAACACTCCCCGAAATAACACAACCTAACTAGTGCTAAA
>EP77175 (+) Dm CG15118; range -499 to 100.

GCATCCATTTTTTATGTAATTTGTTTACGGTTTGTATGCGGGGGGACACATTATTGTTGT
TATTAAGCTTACCCTCACGCGCCAGCAACTTTTCTATTTTCGAATCGGAAGCGGTCTT
GGAAAACGTTTATTTTCGCTATTTTCTGGAGCAATTAATGCGATTTGGAATATTTTCAGCC
GAACAGCTGTCAATGTTGTTATTGACTATCGATGACAGCCAGAGATGAACAGAGATGAAC
AAAGTGATGGCACAACCTTAAGCGTTGTATTGATTAATTTGGTTGTGCATTACCATGCTTA
GTTATTCAGCTTAGTTATTTTCAAGTTGAGTTTCAAGTTTAGAATTAGCTATTATTTGTACGG
CTATAATTACTAGCTCGTTTTTAAATAAATCCCTGACGATATATCGTACCGGCTTTTTTA
CGACTACCATCACTAATCAGCAATCGGTGTGCTAGAAATGGTGTGACCAGACCTCCGCTC
ATAAAGTTTGTTTTTTTCACCTAGCAGAGAAAACAAAGAATTGACAATTTAGCCGCAGAT
CAGACGACGCAATCCCAATCCAGGATGAGGAGCGTCGAGGAGATCAAAGCGGAGTACCC
>EP77176 (+) Dm ARS2; range -499 to 100.

CGTTGAGAACGGATTTTTCTCTGAGTGTTGAGCAATTAATACGGTTGAGACAAAGGCACT
AGAATAAAATAGTGTCTAGAATAATTCTAGTGTCTTTGGTAAAGAGAAGGCAAAACCCCAA
GAAAAATATATAAGAAGAGTTACTCGGAATGTGGAAGGTTGGTTGACGGAGAAATTTGGA
ACGGCGACAATTGTGCGCGACAATCAACTAAATTTTGGATTGTCTTTTTTTAAACAGGT
ATATTCTCAATTGGATTATGCCGAGTTTACTTTTATGATTTTGATCATTGCCATGTTGGA
AGGTGGATAGGTAACAAGTTACAGTTTCCTTGAAGACTTATGGGACCAACAGTCCAGCCAC
CTACGGGTTAATCAACACGGGGATAATGTGTGGAACATTTATCGATAATTTTACAAATT
AGAGGGATATAAAACAATTTGGTATATTTTCAATTCATACCTGGAAGGTATATTGCGTTG
CACAAAAGCGGTCACACTAATTGATAGACGCAAGTTTTAAGTAAATTTGGGTTTAGTT
AGGCAAAGGTAATTAATAATGATAAAGGAGCGAAAAATGTAACAAAAAATGCCGATATGT
>EP77177 (+) Dm HEX01; range -499 to 100.

CTGCCTGTGGCATTGAACCTAAAAATATGACGACCGGCACAGGGAAAGATAATTA AAAAG
CAAACTATGTAATCTTTTCTGACATTCCCCATTGCTTTCCACACCTGATGGCTGGTGG
TGTGCGTGTACGAGGGCCAGAATCGATGCTGGTGGGCAGTTAAATTGGCAACAGAGGGAA
GCCGTAGCTTTAGTCTGCACTGAACAGCAGCCAAGTTCAAGTTGGAATCGATTTGGAATAA
CCTATATTTTGGTACGGCGGTTGTGCGGGCTTATCAGGAAAATTATCTATATATTGGACT
CTACAAATCTAAAAAAGATTGTGTTGCTATTTGTAATCTATTAAGATTATAACAAGAGA
TCCGATATTCAGTATAGACAAAAATATAGCTCATACGACTCGTAAATCAGTCATATTGCA
AACTATCGTTCTCCTCTAACTTGTTCATTTAAAGATAGGGTATTCATAAGTGGACTT
GCATGAAATCCGATTCTTTGTTTACTTGGCTTGACTCTTTGGCACGGACAATGAGCTCTC
TACTCGGCGGCAAAACCTGTTTTGAAATACTCAATTTGTTTAATTATCATTCCCGAAGC
>EP77178 (+) Dm CG14645; range -499 to 100.

TGACGAGCAAGAGGCCAATAGCCAGGCAGCTGCCAAAGAAGGTGGAGAACCTAACGCCC
GTGTGTGCAAGCTCATCTTGATAATGCTCATGGAAGACCGGTGGCATATGTAGAAGGCTA
TGCTGTTTTACCATTAAAGAAATGTCTAGGGCCCCGACTCCAGCTGCAGCGAAGAAAGTTA

GTAGGAAACGTTAGTAAGCGGAGGACGCAATGCCAGTGGCCTTGACGCGTATTGCTTACC
CTTTTATGACTATGTGCGGCGGATCAATTGCAAATATAGTCTTTGTTTCGCGGAACAAAAG
ATTGTTGCACAGGTAAACAATTAATATAAACTGTCTTGCCCTTGTTTTTTCTCAGAAGA
GAAGACTGAGCGGATATTTTTCTCAAAGAGTACGGTAGCATTATTTGGGATTTGGTCT
GGCAACCACGGCCGCTAGTATATTCGATAACGATACAATTCTCATACCAAATGGCTC
GACAACCCTGGTTCCATGCAAAAATAGCGCGAAGTTTTGTGTTTACGGCGGTGAAAAA
TAGATTTCTGTAAATATGAGCAGTCGCAAGCACAGAGGCTCCGAAAACATGGAAAATTT
>EP77179 (+) Dm SU(DX); range -499 to 100.

CACATAGCAAAGCACTTGCGGATTTTAGCATTGTAAGCACTTTTTACTGCCAAACACTAT
GTTATTCGATGAAGTGAATCCGCGCTTTTATTTTATTCATAGCACCACAAAATTAAT
AACATTTAAAGAAATCAATGAGCAACGCAACTGAGTAATGAATATTCAGGGGGCTTCTA
ATTTATATGGAGTAATAAGCTTAGATTCCAATAAAATCAGAGGGGCCAGAAGTACTAGCT
GGTGCATAACTTTTTGGCTAATTATTTACCTTTGTTTTGTTGTGACTACGGGCAATACGT
TCTTATTTTTATTCTAATTCCTATTCGCGGTCAATTTCAAATCTGGTTGGCTACTCCAT
TTTGAGCTTGTACGGCAACTCTGGTTGAACATGTAAGTTGGCAATATAGCGAGTACGCCA
ACCCAGTCTAGCGTGCATAACAAGCCTCGCCAATTGAATTCAACCTATCGATTGCGGCAC
TGAGTGGCCACATCAGTTGTATCGAAAAACATCGTCCAAAGTTGCGAGCTCTAGAAATTGC
TGCTTGCAAGCGAAGCAAAAATAACAATAAACAATTAGTGCAGCGATATCAACTGCTCGC
>EP77180 (+) Dm CG8485; range -499 to 100.

AATCGAAAGTCATGTAATCGAGCATTAACAATGCCTACAAATGCGACAGTTGCGCTGGA
GCGGAATTCTCCCCACACCTTACCGTGTGGCCCTGGCTGCTGTGTATGGTGCAGTTGCG
GTGCTCTACATATGGATTGTGCGGATTTGGGTGGAACCTCAAATCATTATAGTTCCCTA
GCTGCCAGTATTTGTTTTTTTTTATATTTAATTGAGAATTTTGATTGGAAACGACCG
CAGAAAAGGCGTTTGCGATTTGCGATGGTGTGTTTGGTATTGTCCGTCAGTGTGACCGAA
GCAAAAAACCGGAGTCAAGCGGATATTATTCGTCTAATATTTAGATGATTTAGAACGCG
TATGAGTATCGACTTAGAATAAATTTTAAATTTAGACCAAACCAATTAATAATTTATAAG
TATAAATAATTTAAACATACATCATAATTTTTCCAATACGATACTTCTGGTTAAGAGCA
TCGCTGGCGTGCCATCCCCACTGTAAGACCTTCGGCCACACTTATTTGAAACTCGGGAAA
AAAAAACGCAGAAAATAGTCGAAAATGTGTATACAAAAGTGTAACTAAGCGTTTTCATG
>EP77181 (+) Dm SUR-8; range -499 to 100.

ATTAAAAATCAGTTAAGCATAGTTTTCGCATACTTTTCGTGAAATGTCTCAACATTGTAT
ACATTGAGGCAAAAACATTTTAAAGCTCCAAGGCAGGAGCTTTTGCAAAGCTTTCTTTA
CAGTTGTCTGCTTACAGTTATTTATGTCATAATTTATTTAAAAATAATCAAGATTGTG
CAAATTCCTGTAAATGGTTTTATTGCTGATCGAACTTTAATTTAGAAATCTTTTCATAA
CACATGTGATTTTATCGATAATAATAGCACTGGAAACTATTTTGTTAGGTTCCCTGTAAT
AATTTATGTAATAACTTTGTAACCTCCTTCTGAAATGAAATAAAAAATATCCAGCTTTC
ATGATTCTGTGTGGATTTGAAAACGATCTCACTTAATTATTGTGAGGCTAGTATGAACACG
CTATATATTGAATTGACTATCGATAGTCGAATGAAAGTCGAAGCATCGATGTTATCAAGT
TGCAATCGCACTGTGTTCCAGCTCTAGTGTGCAAATTGAATAATAACAATATAATAATGC
GTGCAGTAGTGTCTGATCGCGGAAAGAGGCAAAGAACGTTAGGAGACCGTTTTAATGG
>EP77182 (+) Dm SP1173; range -499 to 100.

AAACATAATATTATTATTTACTTAGCGTTTCCGCCTCATGTTGACAACGAATTAAGGACC
TTTTAGTTATGCATATTAGGTCAATATTTTCTAGTTCATTAAGGAAATGGTCTGTAGCCA
TGTCATATATGCATATCAGCCAGACTAAACACCCCTCAGCAACAATGCACGTGTGTCTAT
CCGCATTGTGCCCGGAGGATTTCCCATTCGCGGGGTGTTTCCGTGCGAATGTGAGCAGC
CCTAAGGGTTGAAAATTCAGACGCCGAAAAAGCGGAAGGCATTTTCGTTAGACGGGAA
AATCTTGGAAGAGCCAAATAGAAATCGTAACACAAATATAGGGGTAATCATTGGCGCCG
ACCGCTAAAAAGTATGCAACACTATTTTTTCAGCGACTCTTAAGCCACAGTCGCGTCCCA
GCACATTGGGAAATTTGGGAAGGGTAGCCGAAACAGCTGGCTGTGAATGCTTTCCGGTTTT
TTGCCGCTGTTGCCGTTTTAGTTTTCTTTTGAACGGCGAGGCGTTTTGGACGCGCACGCGG
ATTACCAGTTGGGAAAATATATCGAAACCGTGCTCGAAACTCACCCACGCCGGGAGCTT
>EP77183 (+) Dm CG14823; range -499 to 100.

GCTTAAATTAATGCAGATACCACATTTTTGATAATATTTTTATTCATTTCTGAAATA
ATTTCAATCATATTAGTTTGAGTATTATGTGCAAAATAAGCACGGCTTGGTCGCAATGC
TGCCGAATATAGTACTTTTAAAAATAAACTCACTACTTGTTTAAATTCGTGCCACTTTTAG
GAATGAAACCACATGCAATTTAACTTGTGAGGTGTACAACTACTGATGTTTCGGGAATT
GGAGAAAAATCACCATGTTGAGCGCCACTTGAATGCGAGAGAAAAATCACCGAAATGCTG
GAGGAATGGAGAACAAACGCTGGAACAGATTAGCTGGTCGGGGGAAAAAAAACGCTGGG
AATGTAGAAACCGCAATCGCCGGGCATCAATTACGCCGACAACATTGAGCGATAATCGAG
GGGAGGTTATCTCGAGCAGCACTGTAACCTGGTACCATGTACAAATGCCACAGAGTGTT
CCAGCTATTCGCTTGGGTTAGTCGGTTTGCATAGCAAAGGGAGAAGCCAGCTCGCCATG
GAGCCACATGCAGCAGCAGTGTGGCGGAATTGGCCAAATACAGTGAGGATGATGTGGAA
>EP77184 (+) Dm HSC70-4; range -499 to 100.

TAAACATAAAATGATCTCTCAAATGTACTTAGAGTGACCTCTGCCAGAGCGCCAAAAA
TACCACGATCAATAAGAACAGCACTGTTGTTAAATGGCTGGGCAGCCGTGTGCGTCAAT

AAGTGCCGATGGAGAAGCTAGAATAACCTTATATAACGAAAGATTTATAAATAAAAAAATC
CCATGTTCCATATTCCACTGTTCTTCATTAATTATTCCCTATATTATGAATTATATTTCAT
TAAGAAAGGAATAGGAAATGTGGTTTTTAAAGTAACAAGCTACGTTTCAGCGCTTCTACTA
CATATTAGCCAAATTTCTACGACTTTACAGTTTCGGTGTGAACGTTCTGCGTCAACATTTT
TGGACTTCTGTGTGAAGCGCTTATTAGGGTGGCCAAGAATTTTGGGTTACACCCCTGGG
AATTTAGTACTAAAATTGTTGATGGCTTTGGTAACACTTTTGCTTGTATATAAAGGCAT
TCGCAATTTTGTACGGGTGTAATTCAGAAAAAACGCCAGCCAGTTTGATCGAAGGTGC
GGCAGATTAAAAGTGAAGTAGCAATTAACGGTTATATTTTAGTACTTTCTAAGAAACAA
>EP77185 (+) Dm L(2L)162; range -499 to 100.

TTCCTGAATAGCAGCATATGTAATTCATACTTTTCATATATTTGTATAATATGATTC
ACATAAGGTTGTTGTTCAAATGGTTGAATACTACAATTAAGTCTTTACAACAAGAGAATG
TAATCTGTTGGAAAAACAATATTACAATCAAATTTATTAACAAATATAAGATTGGGTTT
AAATATTTTACTGGTGGAAAACTTTGATGGGCGTAATATCGATAGCAATAAATAAGCG
AAGTCAGGCACCCAGCTCTGGGCTGCGAGCCCTGAAGTCAAGTGGCACCTCCAAAATA
ACGTAAAAAAGTGCAAAATAATACAAATTGAATTCAAAAATTTGCATTATTTTATGCTT
TGTTTTTCTTTACCATACACACTGCGAAGCCGAGCGAAATTGCCGGATATCCGCTAACA
TCTGGCGATAGTTGGCGATCGATATCGATAGTCGCTAATGTTTTCTTACATCACTAAA
ACTTTTGAAGATGGAGCCTCTTTGCTTGGTTTTAACAAATCAGTAGCAGCACGTGTAT
AAAAAGTGCCAAATAATTTTCAGAAAAATGTTAGTATATACCCTAGATTAAGCGTTTGAAA
>EP77186 (+) Dm RPL7A; range -499 to 100.

TAATTTCAATATTTTTTATTTACTTTGGCAAGTTAAGCTACTTTTCTTAAGCAACGCGA
CCTCCAACACTGGCTGCTTCCAAAGTTTCTTTCTATTTAGTATTTCTTTTCAAGATTTT
GGTAATACAAATCGGTCACTTTTAAGAAATTCATAATTTGAGCATGTCTTTGCTGTAACG
ATCACATTTGTGGTGTATGCTTAGATAGGATGGAATGTTAGATATATTATTTTATTTA
AACGAAAGGTATTCTGACCACGATTTGATTCGTTTTCAAGCGCTGGCCTATTAATAAAGA
AGTTACGCTTAAATAACATTGTTTTTAACTTATCTGATGTACCTTAAATTTTTTAAAC
ATAAATGGAGCGAGTCTCTGCTAAGAATAAGCATAGCCTCTCACCTCGGTATATCGCTTC
TTTTGGCGTTTCGGTGCAATGTGGCACGGTCAGATCGAATCTACTCGATTTCCAACATT
GGAAGTGCACCTTCCTTTCTTTTCTGTTCCACGTTTCGGTGAGTGCATGTGCCTAGCGA
GCAGTCTGAATTTTGTGCTAAAAACCAATATTTTATTTACTTTTACGCGAGTATTTTCGAT
>EP77187 (+) Dm ARGK; range -499 to 100.

TGCTGCTTTTCAGTCATACGTCACGTTCTACGTCAATCGTTGGCGTTTACCAACACAAAG
ACACACTTCTCTGTGGGTGCACACAGAAAAATGTATACATGTTCTTAATTTTTAAATATAT
TTTAAATTATGATGGATTTAATCGATCCTATTACTGAGTTAGAATTTTAAAGAAATATTAC
ATAAAAAAGTTGAAATTTTTATTGAGTTATTGTTGTTAGTTTATTATGATACAGTCTCGAG
ATTTTTTCTCAGTGCCTGCAGAGGAGCCAGGAGGCGGCTTCTCCTCCACACACGTACA
CAAATAGGTGCCGAGCTTTTGCCTCTCTAAATACATATATAGTATCTGTGTGTGAGAG
TGCTCGTGTTTATGTAGTTTGAAAGTGAAGAAGCAAGGGTGGCCTCTGCCGAGTCGCA
GTCGCTGGCGCTGCCGGCGTTGGCGCTGCTGAAGCACCGACTGCAGTCAGTTGGGTAAA
GAACAGAATATTCGATCATTGTAACGTTGGACGTTGAATTTCTACGGTTGCAAAGGTGAG
CCGTCCTCCAAAGATAATATTTAAAAATCAAGTGAAATTTTCAAGCAGTTCAAGTATCTAA
>EP77188 (+) Dm VHA16_1; range -499 to 100.

TGCACAATAATGGGGCTTACACTAGGCATTTTATACAAAGAGTTTTTGCATAAACGTATT
CTTTGTTCAAAAGCTCCATAGAAACCAATATTTCTAAAAAAAGTGTAATAAAATATGA
ATTTGTTACATTATACGTACTATAAAAAACGTTTTGTAAGCTATTTTATAATAGCTAATA
CCGTTCTTGGGACCCATTTAGTTTCGAGCAATTGAATTTTCTATGGTACAAAAAGATGTT
TTCCATACAAGTTCATGAACGAATTGACCAAGCTATCAGAAATATAAAATAAAATATTA
TTTTGATGTGCTTATGTTCTTCAATTTCTGTCATCCTTTTAAATCGGTGTGAAAGCAAT
GCTTTAAGTTGATTGGCTCATGTGGAACATTGTTAGTGCAATTTGACGTCCATCAGGTG
GCAGCACTGGCACAACTATCGCCGAAAAATCCGCCCGTGACTAACGTTTATAAAAGCAA
AGCATAATAACTCGTTGGTGTTCAGTATCCGATCCGCGCTTTTAAAGCAGCAGCCAGCAGT
AACCCGAAGAGGCCACAGAGCAGCGAATTGCTTTTAAATTAGATTTCTAATCACGTGAGTG
>EP77189 (+) Dm VHA16_2; range -499 to 100.

ACAGAAAAAAATTTGTACAATATTTTCTGCCACGACATGCACACACAGGCAAGCCACA
CTTAGCCAATGACAATGAGATTCCTTGTGAGTGTGAGTTTTGCGCGTTGAGCAATGGGAA
TTGAACAAGGAGCACAGGCATCTTCAGAAAGTGCAAAAAATGCATTTTCAATTTGCAAAA
GCCTGGAAACAGGGTTTTAACAGCTCCCATGTGATTGTGTGTACGTGTGTAATTTTCCA
GACCGTTGTCAATTGCCAATTGGACTTACTATCCGTGATGTGTGCCTGTATGCGCTCACT
CTCGCGCGCACACAAGCACATGACAACATGCACATGCACACAGGTCACACTCCACACAAG
CGCAATAATCCGACGAGTGGCCTCTCGCTCAATCTCACTCTCTTGTGCTCTCTCCCA
GTTTTCTGTTGTTGGCCACTCGCTCCGACTTGCCAACCTCTCGATTAAAAAGTATATTTAAG
AATATTCGTGAGCGGCCACTCGCAATTCGTCGTCGCGCAGCAGCATTGGTCGCGAGAG
CAGCGTAAACCCACGTATATAGCACATATTTGTACATATAATAAAAAATACTTTGTTT
>EP77190 (+) Dm CG3203; range -499 to 100.

TTCATAAATGAAGTGAGTAATTTATGCAGAGCTCTGGGAAGTTTCCATTTAATCGAAAGC

AAACCAACACCATAAAAAAGAAAAGAAGAAGGCCAAACATCGTACTCTCTCCGCTCCGA
AAATGTTTGGGTAAACAAATAGTGAAGGCTCTGGGAGAGAGCGAGAGCGAGAGTTGGCC
TCCAGTGGGCGGAACAGCTACGCCTGCGACACGTCAGTGCTAGAGATGTAACACCTTAAG
ATAGTTATCGATTAATAATTATATTGAATAAAATGAATATATAAAAAGAAGTTAAATCTTAA
AAAAC TATTATTAAAATGATTGTAAACCGTATAGCAGAAATAGTTGCAATCATATAATCC
TGTAATATATTATTTTTATTTTTAATTATATCTTCTTAATACCTTTATTAATTAGACATT
TTAGTCTAACGAAATATTTATTCGACTTATTCGATTGCCAGATGTGTATCGATGTTTCTA
GAAAACATAAACTCATCGACACGTCAGTGGTAGGTGAGAGCAAAGAGCAATAAATAGCCGG
AAAACAGAGAGTGAAAATCAGTTTCAAACAAAAGTACAAGGAATAACAGCACAGCAAAA
GAGAAACGCGATTATTAAATACAAATTATTACCCCAAGAACATTGTAACGCGCTGTGAC
>EP77197 (+) Dm HSC3 2; range -499 to 100.

TGGTATTAACATCTAAGAAACAGGAAAATATTTATCAAATTTACTTTGGACCAAAAGAAC
CAGCATAAAGTGTATATTTAAATATATCTATTTTTTTTTATAAATATGTGTTGCAAGGAA
TTCAGTGGCTTGAATTGCGTTATAGCATTTCTTATATTATATTATTGTTTATTTGAAAC
AAAATTGAGGCAACATTATAAAAAGAAATCAAACGATTGCTTGACAGACCCATTGGTAACT
GTAAAATACTATTTACTACCTGATATTGATAAGGACAACGCGAAATATTGTGTGTAGAAA
TAATTATATATTTTTGAAAAGCGTTATTCGTGCGCCGAACAATCGCGTGCTTTCCAACA
CTGATCTACCACTGACGTGCTTTTTGGCCCCAGAGTTGCACGTGTGTGTGTGTGCCGCA
GCGTATGACTGTGTGCGTACGTAGAAAAGCGCCGGCAAAAACGTAGATAAGCAGCAGCCA
CATATTCTACTGCTCTGTGCTGCTTTGAAAGCGTCGAGAAAAGCACATTAATCGAAAC
CAATTTGAAATTATTAACCGCTCAGCGATAAGTGTAAAGTGTAGTTCAAAGAAAAGGCTT
>EP77198 (+) Dm HSC3_3; range -499 to 100.

TACGGTTAATTTTGCTTACATTTACTTCTTTTTTTTAAAAGACCGCGAAGCGCTGCGCA
TTTTGCCGTCTGTGTGAGTGGGAGTAGGCCTATCTGTGTGCGTTTGTCTGCGTTCAATCC
GCTTGGTACACGTCATTTATTTGGCTGATTATAAGCACTCGCTTTGCTCTCTGTGTG
TCTCTCTCCGATGGTCGCAAGTACACGTCAGTGTGGCATAGAAAAAGAATAAAATACC
TAAGTGGTTAAGCCACAAACAGCTGTGCAAATCCAGCTTTCCTTCTGGAATTGTGCGTTG
GGAGGGGGACTTTCTTGGCGTGCCTGAAATAACGAAAAGAATTAAACCAAGTTATTTGGCC
GCTCTCTCACCGCAGCAGCAAGAAAGAAACCAGAAAAATGTTACACGTATACAAATTTT
GCTGCTCTCTCTCTCGCTTCCGGCGACGTGCGCGTGGTCAATGTCAGCAGAACGGA
GATGAGCGCACCGCTTAGCAGTTGCCGGGCGAGTAGCCATTGGAGTAGACGTGTTCTTTA
TCCGATCTTGACTACTAGTAAGATTTATAAGGTACTGAATCTGGTAGAATCGTGTAAAA
>EP77199 (+) Dm CG6512; range -499 to 100.

TAATTGAGTAAAAAAGTACTTTTGAACCTCAGTAATTAATTTCTTTGGAACGATCTTT
TTAAGTTTGTCTTAAACCAAGTTTCGCGTCTGCACTAAACGTTTCTTACGTTTTTACAT
ACCAAATGACTTATCCATAAAGTGCTATAATATTCATTAACCAACGTCGACGTTGGT
ATTTAAATGATGTGCGTATTATTTAACCTTTCAGAGAGTTCCACTATTTTACTAAACA
GCTTGGCACTAACTGAAGAGAGCATGATTGCTTCTGGTCTATAGCATTGTTCTCCTGCAA
TCGGGCCCCAATTCGATTAACATTCATAAGAGCTTTGGGTAAAGATATGCAAATCTTATTTA
TTTTTATTCAATTTTATGAAAATATATTTAAAAAGGGTATTTAAATTCCTACTACTAAAA
ATTTATTTCTGTTTTCAAATATGGTATTTATTAATAGACCGGTGCGTATTTTCCATTGT
TTTCGACGCGGTACACTTAGTAATAAGAAATTTCTTACGCTTATTATTTCAACATTCA
TTTGCGAAATCCGAGAGAAATTCAAAAGAAACCGGTGTGCGTGGCGGCGAATTTCCGGT
>EP77200 (+) Dm CG2017; range -499 to 100.

AGGAATAAACGTAAATATATTAATGAGAATACATTGAGTTTGAATTAAGCAATTCGAG
TTGTATTTTCTTGTGCTGGGAGGCACAAGGTTTCTTAAATTTCTTTTTTAGCAATCTAAAA
ACGTTACCATATCTTCACTCATTTGAATGATTTTTTGATACCAATACAAAATTATTTTGT
AGCAAAGCAGATGTTTTGAGCTTGCAAGATAGCTCCATCGAGATTGGAATTAAGTTCTA
TGCTGGCTAATAAACTTATTTGAGTAAATTTACCAAAACGAATCTCAACACTAAAGTA
CTAAAGTAAAGTATGGAATGTAGGACATGCAGATGACCGCCTTCGCAACCCCATTTATT
GTTAAAAATACGTTACTATTTAAATTTGAAAAATGTGTGCCGTTACAATGGACGCCCCG
TCAGCCAGTGTGGTAAGGGTGCGCAGCAACTGGATAGGTGAGTGTCCAAAAGGGACTAA
CGCGTGGCGAGCATAAACATCTGTTTGTGCGAGTCACAAAATGTAGGAAGTTTATGGTTT
ATAATAATTGATTGGATTGCTGGCGCAACTTTGGCGTCCCCGAAATTTGAAGTGTGTTGT
>EP77201 (+) Dm CG32697_1; range -499 to 100.

ATCGAGAAGGCCATATTCGGCAAGCCGGCGCCCAAGAAGCCATCTCCCGGAGAGCTGGCC
AAGGCTGCCCCGGTGGCAGCCACTTCTGCTTCCGCTGAACCGGAACCGGAAGCCAAACCC
GAGTCCGTTGTGGAGACCAAGACGGAATAGCGCCCGTTCCCAACGAAGAGAATCCA
TCCAAGGCCCTAGACTCTGCAGCCTTAGCACGATTTTTTTTTTACCATGCGAACCAATTTT
TTGTGTGTAGTTAGTTTAAATTTATTAACATTTTAAACAATAAAACGATTGATGATTTA
TACCAACTGTTAAAGCGCTGATCGTAACATCTCTGTTAAGAAAAGCGCCAATGCGGCC
GAAAAGGGAACATTGCCATGTGTAACCAAGCTCCACCTAGATAGTAAATCGATGCATCG
CTTAGCATCGATAACGACCGAGAATCGAAAGGTATCGACCCACAAAAGTCATCGATG
CCCAATGCATCGATGTTTATTCACATCACTAGCTCTACGGTAAATGGAGGCAGAACAA
AAGAATTCGTAAGTTCCGTTCTCAAAGTAAACCAACAAACATATAAATATTGTTTATAC
>EP77202 (+) Dm CG32697_2; range -499 to 100.

GAGGTTGGATTTTGGGCGTTCTACTGTACTTGTGGCAATTAACAGATCATGATCACTG
TTAATGGGCATCCTTTTAACTTAACATGGGCTCCCGTTTTCTCTCTCTCTCTCTCTCT
CTTATTCTCTCTCGCTCTTCCGCCGGTGACATTGAACGTGTGTCAGTGGCAGCGACAACA
ACAGCGACAACGCTTGTAAATGGGGCGGACTGCGCAGCTCCACTCGCTCAGCCTCTCACC
GCACCACAGTGGGCAAGTGGCTTTTTCAGATGGAATACGTTTTTATTAGGTAGTAACTCA
TATTTTTGAAAATGGTGAATATCTTAGCGTCTTAAGCTTAAATGTGGAATTTGGAAAATG
GTAAACAACGTATTAAACCAAACTAGATTACCTGTTTGACCCACTGTACTCTCCTCTTT
CTCTTCTGCGCATGCGCAGCAGCTCTGTGACGCGCAGAGAGGCTGCTGGCTGCGTTTCT
CGCTGTTTCGCCGTTGCTGTTTATTGTTGTGTCAGTCGACGCGGTTTCTCTCATCT
CATCCGCTCGTGCGCTCGCTGTTTCTGCTGTGATGTGGAATTAATTTATTATTATTAT

>EP77203 (+) Dm CG1354; range -499 to 100.

GGCGTTGGGAAGAAGGAACACGACCTGTATATCTAGACAAAATTAACCATCAAATTGAT
CGCATTGCTTTCAAGCCTTGCGAGTTATTGCATAGTTCTCAATAAAATAGGGTACAATAT
TATAACAGCAATATATTTCTGATATTGTGGCACTTAATTTGATAGAGTTAATTAGGAAGC
AATATAATTATATAAAGGTTTTAAATAGGATAACCTTATTAACCAATTCGTTTTGAGCAA
ACCAGTAAAGCACAAAGTAACTTATGCCCCGACACAATTATAATGTAAGAAGACGTCAA
ACCTGTTGAAAAATGCTGAAATTCAGTGCGATAATAACATAGCCCTCGAGCTAAATTCA
AATTACGCGCCCTGCCGCTGGCGCCCCCTACCGCTGCGGTGCTAAGCTACGACGCCCA
TTTCAACCGCCCGGGGGCGCTAGTCGGCATGCAACCCTGCGCGTCAACAGCTGACCGGCC
TATACCCATCTCGCTCGCTCTCTTTCTTCCACGCCGTACGCCGAAAAAACAGCGGACG
CTTAAATTTTCGTAATATTTGTAAATAACAGGGGCTTAAGTTCATTTGGCAATAACTAA

>EP77204 (+) Dm CG1534; range -499 to 100.

TTCTCTTTTTTGTCTTCTCCGTGCGATGTGTATTTATGTGTGTAAGCAGCCAGAGGGA
ACAGTTGACAATTAACGTTTCGTCTCGCTGCTGCGTCAATCCATCGATGACAGTTAGTG
ATATCGATAATATCGATGGCACAATAGGGATTCTTCTATTGCGGCGAAAACTGTTATAT
GTGCAGTGTGACCGTAGGTGTGTATACCATTTAACGCGTACAACAACCATATCGACAGCC
GTCTGCTAGCGAGCAGCATGAACCACATGGTTGCATCCGATAACATTTAGCGAATACATGA
ACCAAATGGTGTCTGTCTAATATGCCACCACTATTAGCGCGTTTTCGGGTTGGTGTCTCTG
CGCGCTCACTGGTCACACACGGTCAGTCTAGCCACAGCAGTTAGCGAGTGCAGTCACCAC
AGTGCGAGTGCTTATCGATAAAACCAGCAAGTCATCGATTTTTAGACCGAAGCGCTCTGT
CAACTGCTGCGCAGGTCACTCTACACAAGTATTTCTGACCGTTTGTACGAGAAAACAGA
GAAGAGAAAAACACAAGCTCAGCAACGCATCGATATTCGGCACAGTCCCAAAAGCAAACG

>EP77205 (+) Dm BEST GH15083; range -499 to 100.

TTCTTCGCTCTGCAGCAACAAGATATAATGATGATACAGCAATTTTATTAGGGGTATTCC
CCCAACACACCTGAATTCTACACTTGGAAACAGAGGCACTCTCTAATTTGATAAATAATTA
TAAAAACTTCATATTTATACTGTACTACTATATACTCACTAAAATAAAATAATATAA
ATGGTACATTTAAGTCGATCAATTAATTAATGAGTTATTGCGTTATCAAGAAAGATTT
AGCTGTGAAAAATTACTTATGTTTATATAGATTTAACCTACAAATATTTCAAATAAATTG
CTAGGTGGGTATACAATTTTATAGTAATAAATCAAGTAAATATAAGGACAAATTTATGA
TCATAATTTTATATTGCACCAATGCGAGGCGTTTCAACTACATTACGGTCTCCCCCTAC
TGATAAGCGCCGAGTGCCAGGGCTGCAGAGCACGGCTCAGCTGTGATGTATCGGGATGC
ATCGAAGTATCGAGTTGGCATAAAAGAATCTGGTCTTCGTGTCGTGTTATTCATTCTTA
ATTGCGCCTTGCTTTAATTTGTGGGTGAGCGAAATCGGAGCTCGGCGACATCGCCAGTTG

>EP77206 (+) Dm CCT1; range -499 to 100.

AAATGGGTTCTCAGACTGAAGAAAAATGTTAGATCGTACTACCTCGATGGCGATTAAAAA
CAAAATAATTTTATGCTCATTGCTTGTACTTATTTTCGAGAAAGATTTTCAGAATAT
GACAATTTTCACATAGTATTATTAATACGCAAGGTTTATGGAACTTTTATTAATATGAT
TTACAATTTTCGAGAATTCGAGATTTTATGCTGTGAATGAACATGTTACGTTTTTGCCGCA
AATGGTAGGTTTAGGATTCATAGCCAGTGTATTTTTGAATTATTATTAATTAATTTA
AATTTGACACTTTATTGTCATTCTACAAATTTAAAAATTGAATTTTTAACTATTTTCGAT
AACTGTTTAAAGTTCATTCTCCACGACCCAAAACAGTGAAAGTATTCGATAAGATATC
GGTCTCCCCATGCGTCATCGATGGTATCGAAATGGAAGTATGCGCTTCCACCTCTAACA
ACTTTTGTCTACTAGGGTTATTCGAAGTTGTGTTGTGTCGCGACGAACAACAAACGAATT
GTAAACAGACCGAGTGGGGTGACTTGTGGTCCGCGTTTTCGTGTGTGTGTCATTCCAGACG

>EP77207 (+) Dm BEST CK01510; range -499 to 100.

TTCTTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATACGTTGCATGAATGTACTGTGCAAA
TTTGAAATTTATACCAAAATGCGCGTTTCTGCAAAATAAAAATATTTTATAGGGACCCAAT
ATATATATGTATATATGCATATGAATATAATATGTATTTACATACGTACACCCACATCGG
CGCACATCAGATGCCCCATAGCCCATAGCCAATTAGACTCTTTTCACTGCCTTGTAAC
TTAGCGCGGAATCAGTAATTTTATGCGTTACGCGACGCCAAGGCGGAATCATCCATAAGA
TGGTATCATGGGTGCTAATTGCAATAAACATATCTTGGGGGACGTGTTTTCCAAAATACA
ATCGCCACTCGGCGTCCCCTATGCGTTACATTTGATTTCAATTGGACTTTTCATTAATAC
TACGCTTTCCCCCACTCGCGATTCCAAAGTATATACGGTGGAAATCATTTTGTATTACT
CATGCGCCTTTAATATGATAGTTTTATTTTATTCGTACAATTGAAAAGTTCACCCACATC
GGGCGAGCAGGAGTCGAAGCCCCCAAAGTAAACACAATTCTACAAAGGACGTTTCCGTTG

>EP77208 (+) Dm CG8756; range -499 to 100.

TTTATAGTTTTGATAGAATCGCCGAGAAGCAGCCGCGTCGCAGATGTTCGAACAAAAGAC
TCGCAAAATTCAGGGTCAGTGGCAGAAAGAGATTGATGGGCATTTCGTCTTTGATTTATGTA
TGTCTAAGCGGATGACTAACTAAAGGAGTAAACAAACAAGCCCATGGGGTGCACTCGTCT
GAAGCCAAAAAATTCGAAATCAGAAATCAAATCAAATCCCCCGACAATCGGCCGTAAGG
TACGGACCGAATCCCGCTCCACCTGCGCTATAAATGCTAATTAACCTTTCTTCACACA
TCGCGAAGCGAAGAGACGCCCGGTACCTTGGCATTTCGAATGGGTTCACAAGACTG
CCCCTCGAAAGCTCCGGCGCCGGCGCAGCGGTGCTGGTGAGTTGGCCAGAGGGTGAGTTG
CTCGCTACCCACCATGGATTGAGCCCCACCAAGACACCTCGGCTTGATAAATAGAAGTCT
GTTGCTGGTGGCCAACACCTAGTGTAAGCGTGGCTGTGTATTGGAAGAGTGAGCTCCGTT

CACTCCACTTCCATTTCGATCCAAAGCATTCCCAGTCTGAGAGTCTGGGCAAAAGTCAGTTGAG
>EP77209 (+) Dm VIG_1; range -499 to 100.

GTATCAACAATGGGCTAAAATAGATAGGCTTAGTAAGCATATATTCTTTGTACGAAGCAA
TACGAACCTCATCATCCCAGTCGTCAGACATATTGATATTTTTTTTTTAATTTGGCTGAA
AGAAAAAAAATTAATTCTATATAAGTATAAAAGCAATAACTTAATACGTTTCAATTTCTAA
AGTATTGAATTATGAATTCCTTATAATATATGCTCCAACATTTTGTACCAATTTATATAAT
TTGCTCAATTTTTCACATATTCTCCAATAATGAAATTGGCTTGCACCTCAAACATAAAAA
GTGCCCGCCAAATCGAGAGCCCGCTAAACACAGCTGCCATTGGAATCGATTTGCGACATT
CGCCGCGAAACGCGTTGAAAAACGTGAGTTTCTGTTTTCTATGTATACCAAGAACACAT
GTGGGCGCTCTGTTCGTGCTGACTGTGGTGTGCGTGATTTGGCCCATGTGCGTGTGGAAT
CGCGTGAGGCAGTGTGTGTAGGTAATACTAGCAGCGAGGCGAAGAAGAAACACTGAAAAAT
TAAGGTTAGAGAGCAGCAGCCACCAACAGCCAGCAGAAAAAGTAAGAAAAATCCACCCAA
>EP77210 (+) Dm VIG_2; range -499 to 100.

ACGAACCTCATCATCCCAGTCGTCAGACATATTGATATTTTTTTTTTAATTTGGCTGAAA
GAAAAAAAATTAATTCTATATAAGTATAAAAGCAATAACTTAATACGTTTCAATTTCTAAA
GTATTGAATTATGAATTCCTTATAATATATGCTCCAACATTTTGTACCAATTTATATAAT
TGCTCAATTTTTCACATATTCTCCAATAATGAAATTGGCTTGCACCTCAAACATAAAAAAG
TGCCCGCCAAATCGAGAGCCCGCTAAACACAGCTGCCATTGGAATCGATTTGCGACATTTC
GCCGCGAAACGCGTTGAAAAACGTGAGTTTCTGTTTTCTATGTATACCAAGAACACATG
TGGGCGCTCTGTTCGTGCTGACTGTGGTGTGCGTGATTTGGCCCATGTGCGTGTGGAATC
GCGTGAGGCAGTGTGTGTAGGTAATACTAGCAGCGAGGCGAAGAAGAAACACTGAAAAAT
AAGGTTAGAGAGCAGCAGCCACCAACAGCCAGCAGAAAAAGTAAGAAAAATCCACCCAAA
GGGCTAAATAAATTGAGTAAATTCACGTTAGTCCACGTGTTAATGTCGTAAACCATAAAA
>EP77211 (+) Dm QTC; range -499 to 100.

TTATCCGAGGCATTCAATTATTAATTGCTTACATTTTGAAAGTGCAACCAAGTGATTAGA
AATTGATTTTAGCTCAATTTGTATGACGCTCATTTTGCCAATCATAATTTGCAATTCAC
TTTCATAGTAGTAAAATGGTTAGTTAACTGTCTTTATATTTAAATTTTTTAGTTGCTAAT
ACTAGCTTGAACAAACATTTTCATGTTCAAACATTTAATTTGATTAAAAACACGTCTGTAA
TCTTGCAATTATTTCTCTCTCTGCGAAATGATGACGTCGCTGCGAGCTGGAGACGTCAC
GCCGCGGTGGAGGAGCAAGTGACGCGGGAGAAGGACAACGATTCCGCCGAGGACTCGCA
CACGGCATCCACAACGCCCACACGATTCACATCCCGCGTGGCGCGTTTCCGGCGTTC
CGTTCTCTGCGCTGCGCGGGAATCCCGCAGAGCTCGGTTTACGGGCTGAGCACTGTCC
AGCCGCGGAGGCGGATTCAGTTGCGCGCCAAGCTCACAGCAGCCCATCCAGTCTCGA
AACGCGTTCGCACCCGTTCACTTGAGGCGTAATCGCAGCTGGTGCAATTTAGGCCACAA
>EP77212 (+) Dm ATP-ALPHA; range -499 to 100.

CATTGCGCTGGAATTGGCCACCGACTTTAGAACCACACCTTTCTGTATGGCAACTTAA
GTAGAGGTGAACGTACCCAGAACATTAGCAACAAAGTCACGTAAGCGAGCAATAGACGGG
ATGCAGCCATTTTTTGTCTTGCATTTGTTAGTCGAGCCACGTATTTAGCAACGCATCA
ATTCAGATGTGGATTAAGCAGATTTATAGCCTTTGCGTAGGCAAAGTTTTGCAGCTATTG
GACGGAAATAACGTCCAAGCTGGTCTGTCTGTATATAGAGGTCGCAACGAAGCTACATA
TCTGTTCCAGCGCAACTCGCATAGCCCTCAGCTGAGCGGAAAGCTATGTGCGCGAGGAG
AGCTTAAGCCCACCGCCCCATACGCAAGCTGGCGGCACACACCCCTTGAACGACGAAA
CTGCCCCGAGCCGAATACGAGTGCGAGCCGAACCATTTGTCGATATGCCTGGTGAAGTTG
CGGCGACGATGGCACTATCATTGGCGTTTTAACTGTGGACGGTTGCTACTCGCACTCGCT
GGCGGATTAACGGCATAAATATTTAAATAGATATATGTATTTTCGCATACATATATACCGT
>EP77213 (+) Dm N-SYB; range -499 to 100.

TATGGAGGACAACTTCTACGTGCGAGGCGACGGCACCATGGTGTACTTCTTCACGGAGGA
AGAACTGCGGGGTATGATGACTCAAGCGGGGCTGCAGGAGGAGCAGCTCATTGTGGACCG
AAGACTGCAAGTTAATCGTGTGCGGGCTGAAAAATGTACCGCGTGTGGATTGAGACAAA
GTTTCAGGAAACCGCTTTAAATCAATTTAGACGAATAGTTCTGTGCATTTTAAACCTTGT
CAAATCAATTGATATAATTATTTACACGATATATTTAAAAATACAAAGTTAAACCTTCAA
ACTGTAATATTACTAGAACTTTGAGCATTTCTTTTCTTGATGGAAGCCCGGCTTGTTT
TTAAATTTCCACCCCTTGGCCATCGGCACCTTGGAATCGCTAAGGAAAAGCTTCTCGCT
GGAAACACCATTCGCTGCTGGCCATCCAGGCAGCTTTTCCCAAATACACATAACAGTTA
GGAAAGCTGCAAGTTTTGCGAGTTGGCCAAAAACGTCGTAAGTGAAAAATTTCTGGTGC
TGCGTAAAAAATTCGTAAATATTAGTTAAGCCTGGTTTTTGTAACTCAAGTTGCCCG
>EP77214 (+) Dm CG7145; range -499 to 100.

TATAAGTCAAGACTTATTCTTATGACGTGTCCAAACTAGTGTAACCTGGTAAAAAATTTGT
ACACCTAACTAGTGCTTCATGTATACCACCATAATTTTATTAGCTCCCGGAACTGATGT
GATAATTTGTATGTCTTTTAGCACATTTGACCCTATGTATGTTCCGCCAAGTTTATGCTG
CCATGACTCTTTGTGGGATCATTAGATCCTTTCTCAGCTTTTAGCTTTGAGTCAATAAC
TACGTACGCATATCTGGTCGTTTTAATAGTTATAAAAAAGCCTTGAGGCTGTGATCCCAT
ATATAACCATATACGAAAAATATTTTTGCTTCGTGATAACAAATCGACAAAGTTTGAT
CCATGTGCATTCTTGGCGCTTATCGATAGCTATGGACAGTGTTGTAAGGTGCACGATAG
TAAGGGGGGCAAAATTTGTATCGGTCTGCCGATAGTTCCCGCGCGTTAGCCAAGTCCAAAT

TCGACCGACCGACCAATAGTCTCGCAAAACACAAACAAAGGCACACCACACTTCGTGCT
CTCGCCGAATTCGCCGCCGCTCGCTGAAACTCACACAAAGTAAGCCCCGAAATCAGTGGA
>EP77215 (+) Dm CG17383; range -499 to 100.
CTCGTATGACATAACATCCCCCTGTTCTACGACATTCCAGAAGCCTTGTTAGGGAAACCT
TTGGTCTTTTCTGGGAGAGTATCAAGCGATTTCGGCGCAGAGAGCGAACAAAGATCGAGGT
ACCCTTTATTTTCTGAGAGTAAGAGAGTTCATACGAGTTGCTAAGGATATAGCTATGCAT
CTTATTCTGCATTTAAATTTAAACCAATACACTATGAAATCCTTAAACAAAAGTATAAT
TTATACACATATGTATGTATACTTAAGTTGTTATATTTTATGTCTAGCTAACGTCAGACT
CCACGACTTGAAAGTGTTACTTTATACATTCTATGCCCTTAAAAGGCAGGTAGTAGGTAT
CTAAAAGTTGCCACCCCTGCGAGCTGCGTTCTTTTTGACGCCGCTGCTTCTGCCGGCGT
CGGCAGAGAAATTCGAGTCTGAGTTCTGAAGTCGTTTTCTGTTGAGGCGACGAGCTGAGTC
GCCGCTGTGGAGGAAATCAATTGCGCGCAATCCATCGGCGGCGACGGTTGTGTCTCAA
AGAGCCTTCCAACCTCTGACTACTGATCAAAAGAAATAAAAGTAAAAAGTGACCAAG
>EP77216 (+) Dm CG32581; range -499 to 100.
AAAGTTTTAAATTTCTGTTTGTCTTTGTTTTGAAAGAAGCCAGTTCTAATTAGGGATGGTCA
CGTGATTTCTGCACAGTGGGTGAGCTATCGATTACGACTTAAACGTTTATAGATGCATTA
GCGTTGTACAAATCAGCTGTCTCTTTGTTTGTAGTCTAATATCAATAAAATTATTGA
ATTCTTGACCTTTGTTGTGACCAAGTCTGTTAGGAACTAGAGATAGTCGAGTGAGTCCTGC
TATCGATTGTCCATGGCACACAACAGCTGCTTATGAATAGTATTTAGTCTTGTAATGTA
TTTAGTAGTTTTATTTGTTTACAAATCAATCGAGGACTGATCACTGATCACTTTTCAAAG
GATTCATTGAGATCCGAGATTTTTCACCTAACTCGATAGTTATCGAACGCGAGCGTGGAC
TTTGGTCCGGTGGAGACGGGTGTTATACAGGCAGCTATTTACCGATAGGGTAAAGGTCT
ATCGGCCTCGGTCAGGTATCGTCAGTGCAGTTGTTTTGAGGTGCTAAGACGTCAATTGAT
AAATTCCTCAATTTTACCGTAACATAACACACTTGTCCACACAATCAATTTAGCAACATTC
>EP77217 (+) Dm CG10737; range -499 to 100.
ATTCAACAAAAGAACGTAAAGTGAAATAAACAGCAACGTTTGTATGTAAAAAACC
ACATTTGTTTCAATTTTCTACATTTATGGCAGTAAAGGTCTTGACTATTAGGCTGCTAT
TTTTCAGATTTAAAAATTATTATATTATTTGTTTGAATTTTGAGTTTAAACGAGCTG
CTTTCCCGCTAAAAATGTTTTGAGTTTAAAGGATTCTGCGGTTTGATTTCGAATCATAGT
ATATGGAGTTGCCACAAAATCTATGTGTTGCTTTATCGATTTTCAATGTTGAACTTAT
AAACATGGATACAATTGTTTCTTCCAAATTTACAATGAACCTAAAACTAAGATCAATAA
AAAATATATTTTGTAGAAACCATGTTGCGCAACATTTGCAGGGAGCAACAAGTGCCTAAA
CATGGCTATCGATACCAAGACGACAATATCGATAATTTTCTTCTACTCTTTTAAACATT
AATGTTATGAGCGAATGTTATTCTCTCTTTGACATTCAACGAGTAAGGTTGGTGTTCGTT
TCGTTTCGCGGATGAAAAATAAAATAGCGGCGGCAAGATTTCTTATTGTTCTAGTGCTC
>EP77218 (+) Dm CG6231; range -499 to 100.
TGCTACGATTTTAATTACTAATTAGCAAAATAATCGTAATGGAGTGAATCAGCCGAGAAT
TTCCCCTTCACTCTCTGAAATGGACAAACGCAAAAGATGAACGCGACACAACCATTTAT
TTATAGGGCAAGTTAATCAAAGTCAAAAATTATACCGAGGGGGAGTTTGTTTTGAATT
AGCAAGGCAATCCGATCACAAGGTGGAGTATGGGTATGTAATCAAATGAAATCGTATC
GAATCCAATCAAGTATACGCCGTGTGGTCTGCTGTAAGCGCTCAAAAAATATAAAATC
ACAAAACCTCGAGCTTGGCGAGCTGGACGAGCTGGGCTATGTGTTTGTTTTTCACAGGTTT
TGGATTTAATTATGACCTGTTTTCTGGTCCGCTGTTGAGTTGAGTTTCGATTTCCCGCCG
CCGCTGCCGTTGCCGTTGTGCGCGAACAGACAGCTGTTTGCCGTTTTTAATAACAAT
CGTCGGCGTTTGGCAGCTCAGTTTGTGAGGAGCGTTCGGCGGATACACATCGCACCCATC
GCTCTTGGCCAGCTCGTCCCAACGGGCTTAAACGTTCCGACAAGCGCACTAGCCAAGTC
>EP77219 (+) Dm CG10625; range -499 to 100.
GAAAAACTCGAATTTTCAATTAAGACAAAAACGTTCTTTGAACAAACAAACACGCGAG
ACAATAAAACATAAAAGAGAATAAATAAGATGAGGAAAAAATCAATCTCTAAATATTAA
TGAACCCCAAGAACCTGAAAGTGAACCTTAAATTTCTTGAGACACGCAAGCAGATCCTAGAG
AATTCGAGCGAGAGAGTTTCAATCGCCGAGGAGAGTGATCAATATATCAAGTATACGAC
CCGTGGCTTAGTTTCAGACTCATCTCTCCGCGCTTGCCAAATAAATTAACGAATCCGGC
GAAAAAGCAAACTCGTTCCACTCACACTCAGACACACACACACACTCACGCACTT
TAAGCCAGGTATCTGTATGGGTAGGAGCTGCTCTCAAGTACGATTTTATGCTTTTTTT
TGTGTCGAGTGTGTTTTTTCGCTTTTTTGTGTTGCTGCTGCTGTTTATATGGCTAAG
ACTCGATGCGTTTATCTTTCAGTTCGTCCACATCGGTACCACGGTATGAGCTCTAGTTTA
GGCTCCTAAAAGTAAATACTAAAACACTACCAATCACTTGTGATCGATCAATGGCTATA
>EP77220 (+) Dm DRY; range -499 to 100.
CCACCGCTGCCGCTTGAAGAACCACCGGCGACGGTGCAAGCCTTTGGGCTGGACATCAAC
AAGGAGGAGAACGGCATGTACAAGGTGGTGGTGACGAATCTCCAGCCAATTCCTCGATG
GAGGAGGGCGGAGAATCCAGTCCCGAGGACGGAGCAGCTGCCAGCGGCGAATTGGTCGAA
GGTGAACCACACCAGGAGCCCATTTCCATTGTGGATCTGCTGGGTGGAGAGGCTGCAAAAG
AAGGCGGCACAGGAGCGGACAGGAGGCGCAAAAGGCTCAGGAGGCCGCTATGGCCTCCATC
GAGGCGGAAGCCAAGAAGTCGTATCTGCGCTCAGGAGACTCCAGCTGTTTACCAGATC
GACTTTTCTCAGTACACCCATCGCGCCGTTAGCTTCTCGCCAGAACTTCTACAACCTC

AAGTATGTGGCCTTGGTGCTGGCTTTTCAGCATTAACTTCATGCTGCTCTTCTACAAAGTC
ACCTCGTTTACCGAAGAAGCAGACAGCTCTGCCGAAGAGGAGCTCATCCTGGGCTCCGGG
TCGGGAGGAGGTGCGGACATCACGGGCTCTGGGTTTGGCGGATCAGGGGACGGAGGATCG
>EP77221 (+) Dm DLIC2; range -499 to 100.
CGATAGTATCGATACTATTGCATGCTTGCATAAGTAAATGCTAGAATTTTAGTAGATACC
AGAAATAGTAGCTTTGCCACAGCGCCATCTGCTGGAAATGCGATCAAAGTTCACAATGAG
ATTAAAGCGACATCTATGAGCAGCGTCAAATCGTTATTGGAATTTTACTTTTTAATTAT
TAGTTACTCGTTATTTCGAAGTAATTTAACGGGTATCTGATAGTCAGTACCTCCACTAAAG
CGTTCCCTCTTGCTATCATTTTACCAGCCATATAAATAAATAAACGCCGGGAGAAAAGTA
CAAAAAGAAATACAGAATAGTTACAAAAGTGATTGTTGTGGGAACGGTATTTCCCGCACC
TGCTAGTGCCAAGTGTGACCATACCCGGGTCAACATTTGGTATCGGTATTTTTTGCAGTA
TTTTTACACGAATAATTGGTGCGAAAGGAAAAGCAAAGCAAAGCAGAAGTGAAGAAGAAG
AGCAGTGAAGAGGAGAGGCAGTCAGATTCGACGACGCAACGGCGCTGAAAAAAGTCCAGT
GGAAACGCACACGAACGGGCTCTTCTCCACATAAATATACATTATATTATTTAAGTTTG
>EP77222 (+) Dm CG4847; range -499 to 100.
AAGCATACGTTATCAAAAAGTGACTTGAGAAGTGATTAAGTGTAAATTGCAAACGAGA
ATCCGTGCGATCAAATATACGAATGCATTAGATAGAAAGCAGCCCAAATGCGTAATCGT
TCTATCACATAAAAAGTCAAATTAATCAAGATTTATCCACTTTATTAACACACCCAATCTG
GACCAAAATAGATTAAATTCTAATACTCTCCCATATTCCGAACCATCTTGCATGGCGCTA
ATGAACCGAGACGAGTTCCCAAACACACGGCGAATATCGCTGGATCGGTGCGATCGCAC
ACATCAAAACAGATATAGCACATACTCGTATACGATATGCATGGTATAATCAACGCGTTT
CGATTTCTGTATAATTCCGAATCACTGGACTTGGGATTTATGGATTTGAATGGATCGGGT
GGGGGCGAGGTTGGCCAGTTTATAGCCTGAAACCTACTAGTCTAATGGCTATATAAGCCC
CGATCGACGGTCGAGACAAAAACATTTGTGTGGACCGTGCAGCGCGTTAGGTTAGTCTA
TTGGGAATTACTTGGCATTACTCGCATCAGAAAAATTTGTGCAATAGTATCTCGTATTTG
>EP77223 (+) Dm RBP1; range -499 to 100.
GAGCTCCGCCGCGGCGCCAGTTTCTTGGGGACTCGCCTACCCTGGACCAGCCAGTGCTT
CTTGAAATGCCAGCCGATGTGCTGGGCACAGAGAGTGTTTCGTGAGCCTCATTTAAGTTAG
GATTTGCTTATGTTTTCGTTCAATGAAATGAAGCCCGCGGACTGGTTATGAACTCAGT
GCTGCCAGATGGTGAGAGAAATCCCTGCCCATCGGCAATAAATATTAGTGATGTGATC
ACTTCATCCACGGTTCAAGCTGTAAATCGTTACATCGTGATTTTTAATTTTATATGTATT
CAATTTCTTGATAAGGCCGTATAATTTAACAATTTTAGTGAATGAAATTGCAATATCTT
ATAATTTGTTGTTTTTGGCACTTGAATGGTTAGAGAAATATTATAAAAAATTTTAATA
ACAAAGAAATGTAAACATACAGAACTGGCGATAGCGATGTATCGGTTTTCGATGCCACC
ACTATTTCCGCGTCTGGTCACACTTTTTCGTAATTGTAATAAATAAAGGAAAGGCGGAGA
TTTTTGTTAAATTTTAAACAAAATTGGATGACATTTTAGAAGGTAAGTGTGAAATTAGT
>EP77224 (+) Dm BOWL; range -499 to 100.
AGTCGGTAGTCGGTCGGTAAACAGGTAGCGCTCTAACTGACAATAACTCGTCGTACGAAT
GCACGTTCCACGCTCCGCCAGTGCCAGTCTCCATATAAGTCCGTCCACGGGCCATCCGT
CCATTTAGCAGCGTGCAGTGGCGGCCGGTTGGGTTTGGGTTGAGTTCGGTTTAATTCCT
CTCCTCCACTGAAAGAAATGTCGTACTATATCAAACCTGAATATAAGTTACTAGTTAATT
CAGAAAAATATGTAAATGCATCCATTATTTATCTAGTATATTTAAGCAGATAGATTTATA
CTGTTGTTATTTACAGAAAATTAGAGCCTTACTCTTCAGATATTTAAGAATTGTTAAAC
TTTTTCCACAGTGCCTAAGCTGGTTTTAGTGCCACTGCTCGCTACTCGCTGCTTGTCTC
TTTCTACGATTTTCTCAGCCCGCGATTCTCTCGATTCTCTTTTTCCATTCCGGGCCCTG
TTTCTTGGGTTCTGGCTCAGTCTTCGAGAGTTGATCGTGGCCAACGCACCTGCGCGCGG
ATCGCTGGTAATAGCTGTTGGAAAAGTGAAGTGCATTGTGAGTGCCTCTCGCTCTATATC
>EP77225 (+) Dm BEST LD36843; range -499 to 100.
CAAACAAAGTGGAACACCGCCGCGTGGCTGCGAATGCAAAGCTGGACCATTGTGTAA
TGGAACCAATTCGATCCGTTGCTAATTTTGCATCCATAATGATGCCAATATATCTTATT
CGCTGAAAAGCAGCAAAGTCAATAAAACTCGTCCAAATGGCAAAGTTAATGTTTCCCAA
ATATGCCAAAGAGTTCTGGGCTGGGACTTGCATCTTGTGGTACCCAGCAGTCCCGCCC
ATGTAGTCAAAGTCAACTACTTGGCCCATCACTTGACCCAGCCTAAGCCTCTTAGGCC
AGACGGCCAGTTCGCTAGATTAGCCGAGCTAATAGATATTTATGTCTGTACCAACACC
TGCCGAATACCTACCACAGTACGGCGTGACGCCAGGCCAGTGGTTTTGCTTCGTTTCGGC
ATGGTTTGCAACATCCCAAAGCACTGCTAGTCCACTCCACAACGTATTCATATTGACAAC
CACCGGGCTGGTCGCGTTCACTCTTTTCGAGCTTCGACGCTCCACACCGCTCCCTCC
ACTACTCGATTGATCCGAACAGTACGCTCCGAACCGATATAGTCTCGCATTAATTCGC
>EP77226 (+) Dm CG12649; range -499 to 100.
TAAAAATAAAAAATAAAAGGCGAAAAATAAACTGGCTCTAATCCTGGCCACGGCCCACTG
ACAACTGAGCCAGCTGATGGAGATTGACAACTGACAACTGAAGCTGGCACTCACGAG
GCGGAAACTTTTCGCGTAATCGTCTTGTGAAAAAATGGGAAAAATACAAAAGATACAAC
AAATACAAAAACAAACAGCAGGAGTTACTCGTAAAAATAAAATGAAAACGAGTAAAA
ATAATAATGAAACGCCAGTGGAAACCACTCAAAAAGCCTGGTCAAGCTCACGAGCGACTC
AAGCTTGACTTTTGGCGCTCACTTTCTGTTTTCGTTTCGAGCGGAACTCGAGCGGCTCGAC

TTGGACTTGAGGCGGCTCAAGCGGTACGGAGGCGGTACGGCGGGCGTTTTTTCAGAGGCG
CGCTGCCAACGCCGCTGCCGCGTACACGCGCGCTTTGTCTCGAGCTTTAGTCGCTTG
TGTGTGATAAAATCACGTTAGTAATCAATTGCAGGCCAACAGCCAGACCACAAAGAGA
AGCAGTCGCAGTCAGTCGCCACCACGATCCACGATCCACTGATCCACCGATCCACGCAAT
>EP77227 (+) Dm NC; range -499 to 100.

TTTCCTCGCCCTTGCCAATCATGTGCGCCACATACTCTAGAAAAGGGATTGGGGGACAAT
GTACTTTTATTGCATTATGCATGTTTTAAGAAAACCTCACGGAGAATGCCATTGCAATTAT
TTTGATTTTGTGCTTGGCTGCTTCGAGCAGGATTTGCTGTGAGTAGCCAGTCTGTTTA
GTTGCCTTTGCAGCTTAACTTTCACCTCTCTCGGAATCCTTGCAGGCTTTTCTGCGCCTT
TTTGCGCGGAGTTTTTCGGTTCCGGCGTAAATTGTTGCTCCTCCTCATTTCTTTTGTTT
ATGTTTACGGTTTGTTAGGCTGACCCCATATGGTATTTGGTATTTAGTATTAAATTGAAT
CATTTGATGCGCAATGAAGGAATGGTGAATAAGTGAACATGGAGACGGTTCATGTCA
TGGATTTATCCCGACGCGTTCTCTGGTTAAAATGGCGCACCCACAAGCAGCCACACCAA
TCCCAAAGTTTCATTTATTAGTTTAGTGGCGAGTTTGGCGGCGCGAAACGCTCGTTGGTC
CTTTTGTTTCGAAAGAAATCCTATTCGAAGATCCCGATCCTTGCTAGGATCATCTAGTG
>EP77228 (+) Dm RPS21; range -499 to 100.

ATGCTAAATAAGTAAGTCCGTGCAAGTTGGGAGCTTGCGAATAATATATATTGAGCCACTC
TAATGGGAGCCATTTACTTGATGCGCCCTAAATATGCAATAGAATTTTCCCGACGCGAA
ATCTGCAGCCTTCGCTCAGGCCTTCGAAAGTGTGACCAGTCGCTGCTGGAACATGTATCT
AATATGTCATTCATTAGATTTTGGTATTTTCCACTAATGCGGGAAAATATATATTTAAAT
CTATTGATATTTACTTACAAAACCAAGTGAATTTTTTTTTTAATTATCATTTAATTTTAA
AATACATTTTGGTGCATAACCAAAATTGAAACATGCCTATTCATTAAGGGGAATGGAAA
TATCTTGCAAAAATGTACAATTAAATAAATACCAAAACCTTTGCCAGCTGGTCACCCCAA
AACCAGCTGGTACGCAAACTTCCGACAGGGGGCGCCACGCGCAGCGCAGCCAACCTCAC
GTCCAGCTGTCAATTTCTTTCTTTTTTCGCTTACCAGACGAGTTGCGGTGCTAGATTT
GTAAATTTCTACAAAAAAGTGAGTAAACCAGCAGTGGCCGCCACTAAAACGAATAAAAA
>EP77229 (+) Dm CG7010_1; range -499 to 100.

TATGTGAGCTGAGTGCGATATAGAGCAGTATTGCAATTGCAACTGCAATCGCAAATGTGG
ATTTATGGAGGCAATTTCAAGTAACAATACGAGTAAGAAATGAGAAAGCAACAAAAACC
AAATGAGATCTTCAATGTGAAATAAAAGTACTTCTTTGAAAACCTCGTTTTATTTGGGC
GGCAAAGTAATATAAATGTGATTGAGTAAGTATTTATTCGAGTATTTCAATAACCGCCA
AACACTACTATTATTTTGATATAACATTGTGTGACACATTATATAAAAGCTTATTGAATA
TTTTACGTAAACATTTATTTCAAGTTATATTGAAAAAGAAAGTTTCGATAAGCTAATTT
AGTATTTTTTTGAAAACAGGGAAGCTGCAAGTATTTTATTTAGGGTCACACTAATAGGCCA
AGTGGTGCCTTATTTTTTCGCTATAACGCCAAACGTTGTTATAGTTGTGCAATATAGTAG
TTGATAAACTAATCTCGCTACCTTTTTTTCCGATTGTTTAACTTACAACGACGCGCGGCG
GTGCGACTGAGACACCAGATATATAGCGTGCGATTCTAGATCCGGACAATCCGCATATAG
>EP77230 (+) Dm CG7010_2; range -499 to 100.

TTCAATGTGAAATAAAAGTACTTCTTTGAAAACCTCGTTTTATTTGGGCGGCAAAGTAA
TATAAAATGTGATTGAGTAAGTATTTATTCGAGTATTTCAATAACCGCCAAACACTACTA
TTATTTTGATATAACATTGTGTGACACATTATATAAAAGCTTATTGAATATTTTACGTAA
ACATTTTATTTTCAAGTTATATTGAAAAAGAAAGTTTCGATAAGCTAATTTAGTATTTTTT
GAAAAACAGGGAAAGCTGCAGTATTTTATTTAGGGTCACACTAATAGGCCAAGTGGTGCCT
TATTTTTTCGCTATAACGCCAAACGTTGTTATAGTTGTGCAATATAGTAGTTGATAAACT
AATCTCGCTACCTTTTTTTCCGATTGTTTAACTTACAACGACGCGCGGCGGTGCGACTGA
GACACCAGATATATAGCGTGCGATTCTAGATCCGGACAATCCGCATATAGAAAGCCCCCA
TTCACATCCAATTTCTGTGAGTGAACGAGAATAACACAGCGAAAAATGTTGCGTACTCTG
TCACGCGTTAGCGAATTGCCATTATTGTTAAGCAACTGCAAAAAGTACGTAATCCCAAT
>EP77231 (+) Dm CSK; range -499 to 100.

CTTGTTATCAGCCACCACGAAGTATATGTCGAGGCGCGCCCATTTAGTTCAGGTTGAAG
AAGTAGATGCTGGGGATGAGCCACTGCATTCAGCTCCTTGCAATATCGCAGCTTCAGATT
GCGCATATTTCTGTAATATTGCACGTGTGGAACGTGTGACCAGAGGCTTAAATGTCACT
GCGGTGATAATTTCTTAAATGCAATAATTCAATCGTTGATCAAAGGTTTTTTTGATATT
TATATGATTATATGAATATGTTTATATACAATATTAGGAGGTTATAAAAAGTACAAATTT
TCTTGATTTGTTAATTTTTCTTTAACATTAATATAAAAAACAGCCACAAGCACACATAGC
TATAAAATAGCCAGATCTGCTCCGCCAACTCCGTTTACATTACTGCACCATTGCCGACTG
GTCACACTGCAGTCCAGCAAAAACGTTAAACAACACTAGCGCAAGATGGCTGCTCTGCT
CTCGTGTGAATTTTTGTTTAAATTAATAATCGCCCGTGGTGCGGACTGTTTGAGCAATCG
AATTTTATTGGCACGCCATGCGTGGGATGAACTAAGACGGATGCAAGTGCGGATATGCAT
>EP77232 (+) Dm CG4019; range -499 to 100.

TAGCAAAGTTGTTTTAGAAGTGATGCACCTGTCATGGATTTAATGAGATAATCAAAGTTT
AAATTGATAGATTACGCCTCTAATCTTGTGAAATATCAAATATTTCTGTTGGCGTTATTGA
AAGAACTCGGTGAATCATGATGAGCGTGTTTTTTATTGATATCAACAAAAACCGTTCCC
AAACTCCACTGTCCACTGCTTTACACTGCTTGCCGGCTGCGAGCTGTTTGCGCTGCTTGA
AATAAAGCGCATATCAAAGTGAACCTTAGTTGCTTGATAACGCTATCAAAAGCTCACATCA

CCGGCGTAAGAACGACGAGCTGACTGAGCAGCTGGCAGTTGGCGTTTTTCAGCAAGCTTC
GCACTGCTTGCTTGTGCTGGAAGCAGCAGCAGCATATAGCTAGAGCAATCATACGCCAT
GGTGTCCAGCTGCGACGCCGACTGCGCAGCCCACTCGCAGTCGATCGCGCGTATTTAGCT
GGAGGCCCTTTTCCACACTCAATAGCAAACAAACGATCGATCGGAACGACAGGTTAGTTTGG
CTCTCCGTGGTCTGCTTGAGTGTGCGTTAATTAATTAGCAAAGCTGTCGCTAAATTTTCAT
>EP77233 (+) Dm HRP40; range -499 to 100.

TTCGTTCCCAACACATAGTAAATAATGAACATTGTATTTTTTATATTTATAAAATTATAA
ATGTTTATGAAATACTTAATATTTTAAATATTTAAACCTTTAATACAATAAAATGA
ATTTATAAACCAAGTAACCTGTCCATTGTGTAACCTGGGCTTTAAATATTTGTATAAAA
TTTTTGGTATTCTTTTCATTTCTCTTCATAGGTGTGTGTACATTGTATAAATCAAAGCT
GCCATACTGCAAGCAGACAAGTCACGCGCCCATTTAGCTCCTTATATAGGCTTATTTGGG
GTGGTATCGTACAGAAAATCCCAATTTAATCCTTGGCAAATGTATAGCTAACAATCTCCA
GGTAGAGCAAGCAAATACAATACAAATATTTACCAAATAATACCAAATCGACTTGACTG
GGAAAACATCAAGGTGGCAACGCCGACCCATATACACACGCTGTCGTTTGCATTTATCA
TTTTCCGTCGTCATTTTCATTCGTACGCGCGACTTTTTGGCGAGTGTGTATAAAAATCTC
CGGCTCTGCGTAAAAAACGAATATCGTGTGCCTAGCCCCGAAATTAGTAGATCAGTCG
>EP77234 (+) Dm HEPH; range -499 to 100.

CATTCATTTTCTTATCTTAATTAATATATGTATTTACCTTTTATATTTTTTATTTGTT
ATTTTTAGGACTCTTATCAATTTGTATAAATGTTAACCTTTAAATATAACTCAACACAAC
TGTTTTAAAAAGGCAAACTATTCCATTATCCGTTAAAACTTTGAAAAATGTAAAGTTTCA
TTTTTAAGCAAAGAGAATCGCATGCAAAATATTTGCAAAGGTTGAAGCCTAAGTCGTATA
CTTTATTTGATGGTACATTTATGCTGCAATCAGTAATTTTGGTCCTTACCGATCTTCTTT
AGTAAGAAGAAATGTCCTCGAATGTAGAATTCAAATAAAAAAGAGCGCCTGTAAACGGTTA
ACAGCGACCGGGTAAACCTAGAGAGGGTGAAGACACAACCGGCCAAAAGGCACTAACGCC
TGCAATCATCGACAGTAGTCAAAAACGCAATCGATATATCGATCCCTCAGCACCATCGA
TGTTTCCCATCTCTAACCCTATACGATCCAGCGGAAAGAGAGCGGCTCGAGTTAAACA
TTTGCTCGTAGCGGTAAATTGCATTGCAAAATTGTATTAATACACATTCGACAGAGAAT
>EP77235 (+) Dm HIG; range -499 to 100.

CACCAGTAAAAAGTATCTGCCTGAACTAAGGAAGTATAATTAAATTAGTTTTAACTGGA
AAGTAACCGAATCAACGTGGCAAGCAAGCGGAAAACCTTCATTTGTAGCTGGGAATTGGCC
ACGTGGGTGGGCGGTGTTCCCTTGGTTGGTTGCGGGGGGAGTGGGAAAAAGGAGAGCTACG
TGAGAGTTACAAGGGCACGCACGACACACGGGCACAGCGAAAAGCGAAAAGCAGCGAG
AGAGGAAAATCGGAGATGACGAAAAACAGCAACAGCAACGGCAATGGCAACAGCGACTAA
GCAAAAACATGGGCCAAACCAAAACAAAAACACACGATTTGCCGCAAAATGCACGTGACA
CATCCTTTGGCGAGCTTCGTGAGTGCGATCCTTCGTGAGTGCCGAATGCAGCCGATTG
CAGCCGAACGAAGCAGAGCCGAAGCTGCGCAGAATCCAACGAGAGGTATAAAAGCGAGAC
GCTCGCCGCACTCGTGGCATTGATTGTGCTGCTCGAGAGGATAGGTGCCAGCTTCGA
AAAGGATAAAACCCCGCAAAGGACTCTAAGTAAAAGTGAACCTTTAAAGCCAAAGAGCAC
>EP77236 (+) Dm G-O-ALPHA-47A; range -499 to 100.

CGTTCAAACCTCAGGCGAATTTAAATTAATAGTTGTTTTATTTTAAATATGAATATAT
TTGGGAGAATATGCACTGCAATTGTTATGAAAGGTATGCGAATTTTTAATAATTATTTGC
AATAATATAAATAAAAAATATATCTCTATTGTATCACTTAAAGCTCAAATATTGTATTC
ATGAGATCCTTTTGAAGTGGCTGCTATTTAAAAATCCAGATAAGTTTCAAACATAATAAA
AAAATAAATGTCTGTACATACAAAGTGATGCAAAATATTTATTGAACTAAAGTGAGCAT
GTTCTTTTCATATTTATATAAAACATTTTATTAAATTATATGTATATAAATAGCGGAAGAT
TTTAACAAATTTAAATTTTAAATATAAGCTTGTTCGAGCAGCTGTTGTTGCGGCCAG
TGCTGGTCAACAGCCACCCCGCCGCTCAGTGCTGCGCACCGACCCGCCAACAGCTG
TTCGAACGCCTCGCTCTGCAGTTGGAAGAGCGAACGAAGCGAGAGAGAGCAGCTAAATT
TTCGCACACCAAGAAAGTGCAATTTACCAATATCACTGCGGCCAAAAATACAAGTGCAAG
>EP77237 (+) Dm GLUD; range -499 to 100.

GGATTAATAACTCAAAACAGTCACATAGGAATTGTGTGAAAGATCAATAGCATGATAAGCC
CGAAAGTTACGTGGTAAATTCCTGAAAGTATGAGCTCTAAATAAAAAATTTAGCAAAACC
TTTAAAAAACACCTTATATAAAATATACCTTGATATATCGTTTGTATTGTACTGTACG
ATGTTTATTACTTAGATTTTCAAGTGCTTTCTAAAAGAACTCAGTACCCCCCTGAATTC
AACATATAGCCGAAGATGATAAATCATAGCTTAATCTTGGAGTCAAAGAAAAACGTGAAC
GTGAAACCGATAACAAATACCTAATCTCGCCCTGGCAACGAAGCGAGTAATCCGCCGGCG
GTGGTGCCGCGTTTCTAGCGGGCACTCCACCCACAGAGCTTTTCGGTGAAAAGTTTGCAC
CGCTCTCGCCGGAGAGCAAAAAGCTCGGCGCTCCGAAAAAGCCGACATATATATACATAT
CTATGCGAGTGCTCGGCCAGTTTGGTGCGGCGTCGAGTAGCGAGCGTTGTGTAGAACA
GAATAAAAAAGAGTTGGAACCCGAAGAATCCAAGCGATTAGCAGCATGTATCACCTGAA
>EP77238 (+) Dm TRXR-1_1; range -499 to 100.

GAAGAGCACATTGAGGCCTTGGTCCTTGGTCACGCCCTCGATGTCGGCGACTAGCTTGTC
ATAGGCATCGAAATTTCTCAAATCTGCACGGAAAATATATTTATATGCGAGAGTGTTTAG
CGGCTGGTAAACATAATGCTTACCAATCTCAAGTATGTGTATGTTTCGAGTGTTCTTGG
CTAGATCCTCCAGCTCTGTGGGCCAAATTGGGAAAGACAAAATGTTTGAATAAGAAGCA

CATTATTAGTAAAAAGCAGTTTATATATGAATAATTTTCCAGTTAAATTACTGTAATTT
TTAGAGGCAAATTTGGTATTTTCATGAGAGTTTAAATAGCGCGCCCAACGAGCGCGTTAGT
GCCATAATAACCGATAGACGATAAGTGCTGCTGGTGTGACCGAACAATAGTCGGCCAGC
AATCGACAAGCCAATCGACGTCTCCCTTTTCGACGCTCGTACGAAAGTACAAAAGCTATT
GCAAAAGTTGGCTCCGCTTATTCGTTTCGCTTTTCGCGAGTGCCGAGAGCCGCTACAAT
ACACGCTTAGCAGTTTTTACATTTCCGCTTCGACTACAACAACATTCCTACTACCCGCCGTT
>EP77239 (+) Dm TRXR-1_2; range -499 to 100.

GAAGATCCGCGATCGAGTTGCTCGAAATCTTATCGCGTCTGACTTGAGATAAAACCAATA
AAGGGCGGCACTACTATACGGGTTCCGTGTGTTCTGTGGATTTACCAGACCCGAGCCA
GATCTTTCCGTCCTTATCAATCGACTTTATTGCCGTAACACAAGCGTGAAAATAGTGAAA
TGTTAGGAAAAATTTTGACGGCCGGCTGTTTCGTTTCGGACAGCAGCAGTGTTACCAACCA
TCCGCGAGTTATCGATACACTTGCGCATTGCCAAACGTGCGTTTCGCACATTTCCAATTG
GCAAAGGGCAGAACTGTTGTGATGTTCAAATCCCAATGGAATTTGCAATCCAATG
GATGCTCCTTTATGGCAAATCCATTTTATCCCAAACATTCTCGTTTTTGCGGTACGCGCT
CTTGCGCCCTCTCTTTTCTCGCTGCTTCTGTTACGTAGCCGTTTATCGGCGCCTCTGCC
TGCCACCGCTTTTCGACGATTTCCCGGCCGAACAGCGAACGTGTTTGTGTTGTGTTTC
CGCCGTCATTTTTCTGCACCTTTTCGCGAATAGTTTCGTTTCGCCTCCAGCTGGTAGAG
>EP77240 (+) Dm (H3F3A); range -499 to 100.

CACATCATGTCCATCTTCTGTTTGGGCGGTATGCGACTACGAAGCGCTATCTGCACCGC
CTGGTTTTTCGATGCTGCGGAGATAGTAGTCACACTCCTTCAGATGCTTCTCCATGCTCTG
GACTCGGTGTGTGGCGTTGACTTGCAGGTCTGCAGCGGCGGTCCACAGTAGTTCTTCTC
GCACTTAATTAAGTGCTTGGGCATCCGGAAGAGCAAGATGCGGTGCGATTTGTCGTAAGG
GCAAATTCGTAAGTTCGAAATCGGACATTTTAAAAAGTCAAGAGCCGTTTGTCAAAACAA
CAAATTCATAAAGCTTAAGGTACCGCTATGTTTTAAAGTTTTAGTTATCGGTTGTGTTAT
CGGAAGTAAGGAATTTTCGATTTATTTATTTTCAAACAGCTGTCAAGATATTGACCTT
ATACGGAATACCCCGATGAATATAGGGTCACACTGAGCAGACGCGCTAAACCACCCCG
TCCCTCCCTTTTACTTTTCATTACAGCTTAAAAATTTTATAGAGTTCGGTCAATTGTCAA
TCTGCTCAAAACCACTTAATTACCAGGTAACGATGGCAGCTACCAAGCAAACAGCCCGT
>EP77241 (+) Dm HOE1_1; range -499 to 100.

AGACAGAAACAAAGGTAACCAATAGTAACCGAATATATATGTTATTATTAGACTTAAGTG
ACTTAAGGTTCTATAAAATAAATAATTAGCTATAATTAACCACCGATACAAATTAGTTGTG
CGTGAGATACTTTTAAAGCACTCTTCTCATAAAATAAACAACTAAAATTCTGCCGGTCTA
AAAGACGCAAGTTCAAGTTGTTGGCATTGGAATCCGAGCGATTCCAGCTGAAAAA
CCTCGAGGCATTCAACAGCTATTGAAAGCAGCCAAGTTCCATTCAATTCTCGGCGCGCT
TTCAATGCGCGTTTCAACCGAAAAACAGCTGCGACTTCGGCGCCGCACGAAGTAGCAACAT
GAGTATCGGAATAAGTAGCTATAGCTACGCCTGCATGGCATCGGATCGGCATCGGATGGG
CATCGGATGGGCATCGGAATCGGAATCGGCAGTAACCGGCTGAAATAACTAGGAACGCGG
CGCCGAGTCCGAGATTTATTCAGTTTACAACCTTCGCTCGAAACGGACGTGCGACTTTG
TCCGGCAATCCGCGTTTCGAGTGGCAAACAATAGCTATACAAATAAATAGTAATCAAACAA
>EP77242 (+) Dm HOE1_2; range -499 to 100.

GTGGAGGTTAAAGGGAGCCTATGCTCGGGTTAAGCTGCACTCAAAAAATATATTAAGAT
GTTTACTTATAAATTTAACAATTTTTATCCCATATATCATTCTATTCCCTCTGTTTTGA
CTTTGTATATATTAAGATTGATTTACATTTTTTTAATTTCTCTCGTTATGATGGAAC
CAGACATTGAACTACGATTTATTACTCCTTCCACTTATTTATTTATATATTATTATATT
TACATTTAATGCCTTGCATTTTTCTGAGTGACGAACGGTGATCGGTGAGTTGACTGTT
GGTTTTCGAGTGCACTTGCACTGGCCGCCGGGAAAGCATAAATGCGAATAATGAGCGCTG
GTGCTTACCTTCTTCTTGTGCGCTGCTTCGCCTGAAATTCGAACGAATGCGCTGCGCT
GCGACTGCGACGCGACTGCGCAGCGACAGCCAGTGCAATTAACCTACAAAATAGGGTAA
AAAACGACGGACAGCAGTTAGTACCGCTTGAGCTTTTGAACGCATATACCGCATATAGAC
GCCCGATCCGAAACACGATCGGCGGCAAGAGCAAAGCAAAGCAAGCACCGCAAAGGGC
>EP77243 (+) Dm MLF; range -499 to 100.

ACCTTTTTTATCTGACCATTACATTGGAATCTATAAGCCATTCTCGACGATTTATATAAA
AATAAAATTATTACCAATTGGCATAGGTGAAGGCAATTTATCTTGAGGAAGGGAAAAAG
TACAATGTAACATAACCAATTTTATACTTTACAAAATCGTTTGATTGCATCATTTTAG
AATAACTCAATGCAGAAATTTAAATTTATAAAATATGTAATGTGGCTTGAAGTATCATT
TTATTTATTTGTGACATTTATTTTACTTGATGCAATCAAATAATATCCACAATATTAG
AAATTTACCGTTTTCGAGATAGTTTAAACGTATTCGAGTAAGATTACATTTGTTTAAATCTT
AAAAATTTAAAAATAATTAGGAAGATTTTGTTTTTAAATATTAACGGCTTCTGGTATTTT
TAGAGCTAGTATATACTTTCTGGTAGACGTGCTGGTATTTAAGCCAGTAAGATTACAGC
CACACTGACAAAGAAAATATTCTGTAATTTCTGCATACGGAAAGAAAGAAAATTCGAGCA
ACAGAAAGCCAAACACAATCCCAAAAATGTCTTTATTCGGAGCGTTGATGGGTGATTTG
>EP77244 (+) Dm MTA1-LIKE; range -499 to 100.

AAGAGGCTCTTCAAATCAAAGCACTCACTCTGGAAACAATTTATACAAACGTACAAAACG
TAGAAACCTAGACTACGAATATTACAGAAATTTAAGTGCAAACGTTGCATGTTAGGGAA
GACAGTTTTCAAGCGATACTATCGCATGCGCCCCATGCGATTGAATGAATGTTTTAATAT

GAGAAAAAAGGGTGAAAATAAATATGTTTTGAAAATGATAAAATAAACAAGGTTGCCCC
ATAATTTTTTTCAGTTAATTTTCTTAATGATATATATTGTTATTCAAGAAGTATATATAAT
ATAAATAAATATAAATCGTATTCTAGAAAAGCCCCCTATCGTTTTTCTATCGCCCCAA
CTAAATTTTAAACATTAAGTTTTTACCCAACACCCCATGTATCGATTGCTATCGATGGCCA
AACTATCGCACCGTGGAGTGCATCCCTGGTGCAGCTGTTTACTCGGCATTGTGTGTGTGT
GCGTGTATTTTTTAGAGTTGAGTTGTTTCTAAGATGGCGACGAAAAAACGCGTCTTCTT
ATGTGAAAAATGCAATCATAACAACTCGAGTTTTCTGCTAATAAATGTGCGCTAGTTTGG
>EP77245 (+) Dm FILAMIN; range -499 to 100.

CAACAACAACTCTTCTCTTCTAACTAATGATCCATAGTATGTATATACTACTTGATGAC
ATTTTGACAGCAAGAAACCATTGGAATTTGTTTTGTATATAAGACCTCTCCCGATTTTA
AAAATATCGGGAATTAATACAAATTCAGACACGTGCGCCACTATAAAGTTTCGTCCATAT
TGATAGTTCCAGCACATAGGTAGATAGATATGGATATATAAATAGGTTTTATGCATTTGT
GACATATATATGTACTTCTGGATGGGTAAGAGAGATGTGAAAATAATGGATGTGGTATG
CTATGTTCTATGTGGATCCCGTACATACATATGTATGTGAGTGGGAAATACATAAGAAGA
GTGTCCTATATTTGACCTCAGCGGAATTCAGGAACGATGTTGTTTTATTTTCTAGCTT
GATGGCGTGGGAAAGTATAAAGCAATTGTAGGCGTTGGTGAAATTTCTTTGAAAGCC
AAAAGATTACTGGCCACTCAGTCGATGCGCAGCATTGTTTCAGTTGAGAAGTGATTTGGA
CTCCAGGTCTCGACCAAGTGAAAAAGGATTTTTAAACAAGGATACTCATCCAACCGAGAA
>EP77246 (+) Dm TRN; range -499 to 100.

AGGCGAGAACTTTCACTCGGCCTCGAGGAAAGTGTGTGGCGGCTTTGTCTGACCCGGGA
TGAATGTCCTGAAGCGTGGTCTTTGTTTAAAATTAATGACTCCTCTGTCTGGCCTCAAA
CCCAAACAAAATTGAACAGGGTGGCGAATGTGGGCACTCTAAATGGCGAGAGTGTGGACG
CATTTTCGAGAGCCGATCGAGTGTGACCGTGCAGCAGCACTTAGATACATATGTGAGAGG
AAGTTCGTTACATCGGAGCAGCTTTGGACTGCAAAATTTGATTTAATATTCATTTTTTTT
CATTTTGGCAATAAAATAATTTGTTGTTTCGAAATTATATATCAGAGTGATTCAAACATT
TTAAGCTGCTTAAAAATATTAATAAAGCAATAAATTAATAAATCAACTACATTAAT
ATAATTTTAAACCCGTGACGACACGTTGCCATCTCTAATAAAAAATAGCATACTCCCTC
TCTCTTGACGGTCACACTGTATACATCTCGCTAATTGTGCAAAAGAAAAGGTGAAAAAG
AGACAATTTACGCAAAATCTTAAGAAAATTCAACTAAAATAGTTTTAAAGCACAGCCAA
>EP77247 (+) Dm CG5684; range -499 to 100.

ATTCCTCAAGAATTTGCAACAACAAATGGGTCAAGTTAAAAGGAAAGTGGGACAGACGTA
AAAAGAAAAACCACAAATCCAGTAACATTTCTTACTTGATTATTATGATCTATATTTTG
TATCAACTTTTAAACATTAACATTAAAGTTAAAAAATCACAAGCTACCACTTCTACCGG
TGAAATGAAATAAATATATTTGTTTACTGTCAGCGAACAGCTGAAAGTCTAGTGTTGC
CATCGCTCACCAACTTTCATAGTTTCCCTGGCGCCTCTAGGCGGCTGCTATAGCGAGTC
AAAGGCAGGGCTTGGCAGCACTTAAGTGGCTGAGTGCCTAATATTTAAATACAACAAAAC
CCATTTTTTTTTTGTAAATTTAGATTTCTAATTACTATGCTTATGAACAGAACTAAAAAT
TCAAAAGATGGGCACCACTAAAGTCGCCAACTATCGATATTTGTAGCAATTACACGTTT
TCCAGCACTTGAATCGAAGAGCGAACGTTTACCCTCACTGCCGCAATCGCGAACAATTTT
TTATTATGGCACTTGCAGCGCTCACAAACGATATTGCTGATAAACATTTCATTGAAAT
>EP77248 (+) Dm PU; range -499 to 100.

ATGAACATAAATTGACGTCTGGCCCCAAGTTGAGTGGGTTTCAAGGATATGCAAAACAT
AGTTGAGATTAAGTTGGCGCCAAGGATAAAGTGCACGTTTGAGGGCAAAAGCTTGGTACA
CTCTATTTAATAATATATATTAAGGGTAAACGCTACACTTATCCCAATAAGGTAGCTTTA
CTTTCCTAACAGTAAATTGACCTACCACCCAAAGCTAGTTTTTAACATTTGATGGCACT
ATTTTCGTGGCTAGTGCTGTAGTTCTATCGCTCCTGGCCGAGCAACAAGTTCGTGCGCG
GTTTTACAGCCACTGGATGCCAAACCGTGGGCCTGCGCTCAGCTCGGTTTAGTTCCGCTC
ACTTAATCTCCGGCAAGCGAACTCGGAGCAGAGCTTGCCGTTGGATGGTCTGTTGGCT
ATTGATTGGAGCTTTCGCGCTCAAAGCTCCGCTCGAGAGGTTCTATTGCCACCGCTG
GCCACAGCAGCCACCAGAAGAGCAGAGCCACCCGAAGCGCAACACGCGAAGACAAAGTC
CGGCAGACAGCAGCGCAAAAAGAGACAGATAGCAGTGAGAAAATCATCGAGGAAAAAAGA
>EP77249 (+) Dm EG 80H7; range -499 to 100.

TAAACAACACAATTTTTTAAACACGCAAGCGGATCGAGAGAAGAAGCGTTTCACGTACT
AATCTAAGCAAAATGGAATATGCGTACATTGTTGTGGTAGTTACAGATGGCGAGGAGCATA
CACGTAATTAATAATAAACAACACTTGCAATAAATGTGTATACAAAAGGTATTGCGTTGC
GTCATTGGGAATGGATGGGAATGGTATAAAGTCTGATTGCCGAACCTACCACAGATAGAT
GAAATCATTCGCCGTCCCTCGTTTGAAGTGCGAACTCACACGATTCTACCGATGGCCC
GGGAAAAGTCCGCGCACTTTAATCCATACACTTTCGCGCAAAATTTGATAGACTGATTC
TCAGTGTGACCGCTCTGCGTGGAGTGAAAAAACCGAAAAAGTCGGAACGCGTCGCGATA
CGGAAAAAACCGTTTAAACGCGAACGCAACACCGATTCTCTGCATGCCAACGTCGCCAAC
TTCAACCCGGAATCGGCCATTTGTCAAACTCCCAGCGGCATCTAGACGTAAGTAGTC
CGAGCTCCTCCGAAATGCTTAGAAATACATGCGAAATGAGTACCGCTGCAACACGCGAC
>EP77250 (+) Dm L(1)AIR8; range -499 to 100.

ATAGGCTTGTGAGACCAGGGATGGTGGCGCAAACGATATTGAATGCAGTAATTCATAAA
ATCTATATATATTGTTTTGAAGTTTATTGAAATCGATTGTACCGATATAATTTCGTTT

CGCCCATCAAAGTTTTCCACCAGTATAAATATTTAAACCCGAATCTTATATTTGTTTAAT

AAATTTGATTGTAATATTGTTTTCCAACAGATTACATTCTCTTGTGTAAGACTTAATT
GTAGTATTCAACCATTGAAACAACCTTATGTGAATCATATTATACAAATATATGAAA
GTATGGAATTTTACATATGCTGCTATTCACTGAAGTGTGTTTTAAATCGTGGGACTGGAAC
CGGCCAGCTATTTGCTTAGTAGCTTAACGATCAGTGTGTTTTGAATCTTTTGAGTTT
AAGTACAGTAATCTTATCTCATAGTACTCGAATGTGGAAGTGAATTTAACTTTTCATGC
CGCTGGTCTAACCGGGACTTACGAAGGCAAATAGCGAATACAATCGATTGCGAGGAATAT
CGTGATCGAATTTTGGCACACATCGATTGTTTCGAGCGAACAGCGACTTGTGTTCCAGTA
CTACCGCTTGTGACGGTCACTCTGAATTTTACCAGCGGTGTGAACAGTGTGAGTGCC
GTGGGTTTCCTGGAATCCGTTTAGAAAGAGATTTCTCTAGACTTACTGAACGTGGGGTG
>EP77257 (+) Dm CHIC_2; range -499 to 100.

ATATTGCGGGTGCGGTGCAGCGCAGCACATTATGATATGTGAGATGGGATTCTGAACATAT
AGGCGTTGAAATTAAAGGCTATTTTTAATTATGACAGTTACTCAGTGCCGGCCAACAAA
GTGACGATTCTAACACTCACTCGGAGAGCCGCCGTTGAGTCATCGTCTGCTCTCACTCG
CTCATTTGCATTGTCCGACGGCGCTGATTAATAACGGCCCCGCTCGTACGACCGTCTCG
CTCACACACCCACTCCAGGCGCACCGTTGCACTCGCCCTGGCTACGGCTCTCGCTCGCTC
ACTCTCTGCCCCACTCGAAAGCAGTGGCAGTGGGTGAGTGAACGGGTGACTCACGGCTTG
GAATTGAGCGCTTTGGAGCAGAGGCAAGCAAGCAGCCCCCTGCAGCGCGCACTCTTTCG
CCACTCTCTCTCATCTCTCACTCTCTCGAGTGGGTTTTCTCGAATTCAAAATCGGTTTA
TGTTTCTGCTTTGCGCTCATTGCACTTTTGAAATCCGCCTCGAACGCTTCGAAAATCCCC
AGCGAGTCCGACGTGTGTGTGGAGCTGCGGCGTACGTTTCTGTTTCTGTCTGTCTTGGT
>EP77258 (+) Dm CG11984; range -499 to 100.

CCAACATACAAAATTTCTGGCCACCAAGACGCAACAAACAAAATAACACTGCACAT
TAACTATTCCTCGCTAATACTGAAACAACCTAAGCAAAATGGGTGAACGCTACAATATC
CACAGCCAGCTGGAGCATCTACAAAGCAAGTACATCGGAACAGGACACGCGGATACCACA
AAGTTCGAGTGGCTAACAAATCAACATCGCGACTCCTTGCCAGCTACATGGGTCACTAC
GATATTCTCAACTACTTTGCCATAGCGGAAAATGAATCGAAGGCACGAGTGCATTTAAT
CTGATGGAGCGAATGCTGCAGCCATGTGGGCCACCACCAGAAAAGCTAGAGGATTAAGAA
AACTATTTTAATAATAAAGAAAATAATTGACAAGACAATGTAATTTTCAAGGGTGGAT
TTTCGGATAAATTTCAACTTCTGTAGTTATCGACATTCGGTATTTTGCCTCAAGCGGCA
AACGGTGCCTGCAAGTCAAGGAAAAGCTTTTCACTCGATATAATATAACTTATTTTCGT
TTCAATTGTTTCAATTTTCGAGGTCTAGTGTATAAAGTTATCGTAAAGTAGCCAATGCCGC
>EP77259 (+) Dm DBPX; range -499 to 100.

TGGGCTGCAGCCTATCACTATCGATTGGCCGAATATGATGTGAATGAATTTTAGCCTTT
CACACTTTTCACTTTTATATAATTTATATGTTATTTTAAATGAAGATATGTAATAATA
CGCTTAAAAACGAAAGACCATTTTTAAAAATGAAGTTGACTAAAATAGAAACAAATATAT
GTGTTATATAATTAAACGTAGTTCCAATCAGCCTTTTAAATATATGTTATAAGAGTGGA
TCATCTGTATTTCTCTATATTCCAATACCAATATAACCACATTTTTTGTAGAGGATATCT
TATTTATTTTATTGAAAAATGTTTAAATATTATTTCAAGAGCCACATTTTAAATAGTA
TCGATACCAACTCGCAGTGAGTAAGCACTAGAATGTAACACGGGTAAAGATATCGATTG
TCCAGTTTTTCACTAGCAAATATAAATTGCATTTTATGGAATACTTATCGATATTCTTAC
AGTACTGGAAAACTTTTTCATATCGATTTATTTTCTGCGTATACAGAACGTACTTTTCGT
TTCATTGTTGTCCAAAAAGATAATAATATTATATACCTTCCGTTATTTACAACGCAAG
>EP77260 (+) Dm CKI-ALPHA; range -499 to 100.

AAACCGAAAAACCAACAAAAAACAACAAAAACCGAAAATTCACAAAAACAAAAAACT
GAAAGAGAAAAACCAACAAAAAAGCTTTTTAATAAAAAATATATAGACCAAAAAAC
AGGCACTGTGGAGTCTTAATGTATTATGAATATTGTGGGTATTAAAGTATTTTAATT
TGATTTCTTTGTTTCACATGTTTTATACGCTCGAACAAAGTGGGTGCTGCTTCAATCGT
TCTTTATAGTAACATCAACTCTGAGTAGACTTTAGTATCAGATTGCAACATAACAGCAGC
ACACGAGTGAAAAGTGTGTTCTGTTCCCATTTGAATTATCCGCGCAGTGTGTTGTCAGT
GCTGAAAATCGCCGACAGTGCAGGCAAGTCAATTTCAATCCGATAGTTTAGCAGTGTGCCA
CGGTGAAGTATCGTTTCTCGTTCATACCTATCTGAGCGTATCGTTCCACGATATCAGGTG
GCAGTGTTTGGTTGAACCTATCGGGCCCTATCGATATAAGCAAAAGCATTTTTGCTGGAT
CTACCATTTTATTTAGTTAATAAAATACATATTTTCTCTTTTTTGTTCGTTTGTG
>EP77261 (+) Dm CED-12_1; range -499 to 100.

ACACCCATTACACCGAGGGCAGGGCTCTGCATACACACCGCTTTCGGAGGACGAATCCC
ACCGCATCTTCGAGTTGGTCAAGGAAATTGACACAAGTAATCAGGATGCATCGAAGTCGG
AGAAGATTTTGCAGCAACGCTTGGACCTGTTGCACCAGGTGAGACTGCGCTATTTACGC
CACGGGAAGTTGCTCGTCTAATGAGTTTTCCGGAGAATTTGAATTTCCGCCAGAAACAA
CGAATCGACAAAAGTATCGACTGCTGGGAAATAGTATTAATGTAAAGTTGTCTGGTGAAC
TTATTAATTTGCTGACGATAAAAAATAACAAAATACAACATATTTGCTTGCTTATTTTCA
CTTTAATACATTTATTAGCTAGGAAATTAATCTGCGCTGTTATCATTAAAAATATTTATTT
CAAATCCACATAATTTTCCCGCCAGTGTGCTATGCCACAAAACGCAACGTTGTGTG
CTGTGTGATATTCATACTACTTGTCAATTGGTCACACTGCACTGAATTAACAAAAA
GAATATAAGTTTACGCAGAAAAACAATAAATTGCAATTATCGCTAATTGAAAGAGTGC
>EP77262 (+) Dm CED-12_2; range -499 to 100.

GAAAAATCAATATTTGTCCCGAATCGCAGGACTCGAATTGGGGCCACTTTTGAACCTCGACT
TGCGCGCAAACAAATCAACAGCTGACCGTTATTTTCGAGTTGGGCGCGCAGTGTTGCCA
ACACATACTGGTAATTAAGACTTTTTCTCAGCGAGGGGTGATTTAAGATTTAAGTCAAGAA
GTATTAAGAAAAAATATATATATTTAATTTGTTGGAAGGTCAATTGTTGAAACCGAGGT
ATCATTTAGCTTAACCTAAATATACTAGAAATCTCGTGGCATAAGCAAATAAAAAA
AGGTTTATCAACTGACTTTTTATATTAGTTTTAACATTATTGGGAAACATTTGTTTTCCGC
CGCTAGAAACCTTTAAATGTATACTACTATATTGCTTGGTACGAATGTTGCATTTTGAA
CTGATGCTAGCATTGCATTTTGAAGGTTCCCATGTCTCTGTTATTTTGCCACCTGGTAA
CACTGTGCCCCTTTTTGATAAATTTGTTTCGTAATAAATGGGCGACAACGTGGTGACGGA
ACTAAATAACTTGGATTTGAACAATCAAAAGGCATGTTAAACTCTTTTGAACCTGCATTC
>EP77263 (+) Dm EMP; range -499 to 100.

GATCGTGGATGTGGTTATTGTGCTGAGTTTGGCAACCAACCCGTGAGTCACCTGCCACAA
CAACCACAACCGCGAGAGCACTAACGACAGATATCATAATCCCGCGAGTGGACGAGTGTG
TTGGTGTGGCAATCAGTGATATTTTGGAGTTAGTAGCATAAAACGAAACGCGCAACGCA
ACAAAACGAAAGACTTCAATGCAAGGCAAGGCAACAACTCGTTTTATCAGCCTGGTCCA
AACATTGGCAACCACATGGACCGCTCGCCGATGCCGATCCGCTCGTGCTTTGATCGCA
TGCGTTGCACTAGCAAAACCAAAAGCTCCCGCTTGTCTACTCTCGCTTTTGCAATTGCTA
CCACCTGCCGGCTGGGGGTTTCGCCTACCTGTTTATCAGGTTTTTCCAGTTGTGCTTTG
TCGCAACGCGAAGCCGAGCTTTCGCGCCTGAACATCTTACGATCTTACGTTGGGGGGCC
ACTTGAAGACGGCGACTTCAGTTACTTGACGGCACTGCGAGCGTTTCGAGTCGTTAACGAT
TTTTACCGCGGTTGTTGCTTAACGTTCCCTGCTCACCAGTCAACGATTACCTTCCTCGT
>EP77264 (+) Dm STAT92E_1; range -499 to 100.

TTTTTTAGCTGTTAGTTGTGAGGGAGAGAAGCGATGAAGTGAAGACACCCGAAAGCGCTT
AACTTTGTTATTAACCGTAATTGATTTATTATCGCCGTAAGCCGAAAGTATATCAGCCAA
TAAACTGTCTGAATAATGACTCGCTGGCACATACTGCTCCCCAGGACCTCGTATTCAAT
GGTGTGCTTTGACAATAACACTCCTAGATTAATGATTACGATTTACCCGAACATTTTGT
ATATTGTGATTGCCAACCTCAATGTCAAGGCGCTGCGACTGTTAAATAGTCATGAATTT
GAGGGTGTTACACCAGCATATACTATGTAATTTCTGTATGTTAGTGTGTTTTATTATT
AAAATTTACAAAATTTGTTAACTGATCGATTATCTCAATCGTTTTTAAACGCGCGCCAT
CGGTTGTGACAGGTGGCACCTCCGGCGATTACGCGATAACATCTTTTGGGGGGTGCTGT
ATATCGAAATATGCTGGTAGTCGCGTTTCGCAAAATTCGAGTGCTCGCAAAACGAAACA
ACGTAAATTTAGTGCGTTTTAAAGTGATAATTAAGACTATTTGCCCTGGAATTAGGTGG
>EP77265 (+) Dm STAT92E_2; range -499 to 100.

TTAACAGGGGTGCGAGGGTTGCACTTCGGGTTATCAGAGTTTTCCACCATCAAATTCATT
TTACTTCTAAATAAATAACTTCAATCAACTTATTTTTCTTTAATTAACCTCACAAAGTTTAG
TGGAATATTAGCACGATAGAGATATATATTTTCGTAACCTGTTTAGTCTTAATGTTTCTTT
TAGAACATCTTTACGAAAAATCCTAAATGCTATTTGTTTAAATATGTGCATTCCAAGTCA
AAAATTTATAAGTAATAACAATTCAAAAATTTTGTGTTTACCATAGTTATCGAGCTTTGGT
CCCTGTTGTTAACAATATTTTACTGCGCTGCTCTATAAAATTAATCAACTATTTTCT
AATTAGAATTTCTATCTTCCCGGTTTGGCAGAGATTTATCAGAATCGATACCCACTGTT
AACAGCGATTGTTACATGTGTTTCATCGTCCGATAGTATCGCATGTGGATCGCTTTCGCT
CCAACTCTAGAGACGCGGCAGTCGTTTTTTAGCCACTATAGGGAATTGTTCAATGCGGA
GCAATTTTCAAATGCGCAACCAAGTTGAATTCCTTTGCAAGTGCACTTTGTTTTCAAGGAT
>EP77266 (+) Dm CG6854; range -499 to 100.

TTCAATAATTCAATAATTTCTTATAAAATTCATAAATATGCAACATTTAATGCTTTGCG
CTTTGAAATGGGAGTGTTTATCTTCAATATGAATTTGATGTTTATTTTCAAAAAATAT
TTTTTCTCGGTGAAATTTCTTTTAAATATTTAATATAATTTTAAATATGCACATTTAA
AGTTGTTTGGATCTATGACAATTCAAATTTACCGGATATTATGATTTATTTACACTTAAA
ATTGGTAATATAAAACGTGAAATTCCTTTTAAACGCAAACTATACACAAAGAGTAAAA
ATATAAACAAGGGAAGTAATACGAATTATAGGCCATTTTTTCTTTAGATTTAAATCGCA
AGTTTCCAAATAAATATGTAACCAAGTCCTCACTGCTATGCTAAAATTACATTTGATTCTT
GTTTATTTTTGCGGGAACCTCAATTTAATGCATAGGAAACCGCGCGGTTTTTGTGACGTT
TAACAACACACGGTGAGTCACTGGTATTCTCAATGAAATGAGCGGTGGTCATACCATAAA
TACGTATGAGATATTAAACGAATCCAATTTCTAAAACCACTGCAGCAAAAGGCAAATAAA
>EP77267 (+) Dm CSP; range -499 to 100.

TATAATTAATAAACTTAATTTAATTTTTAAATAAAAAAATATTAATAAAAAAATATTCTG
CGAAATGGGTTGCATCAAAAAAAAAAAAAACACGTGCACGACCTTTTCTTGGGTGTTCCC
TTTCACCCTTCATTTCTTAGACAATCTCGCTTCCGCCCATACAAATTTTATGCATACAGA
AAATGACCTGCGGCCGATCGTTGCTTGTGAGTCGCTCACCAGAAAAGGTTATTGCGCTCG
TAATAAAAAACTGTGCGATATTTTTATTCCCGCAAGTAGAGTGTCAAAAAACCCCGGC
TGCTTAGATACAACAGTGTTTAGCGGGTCACTTGGAGTGCCAGTGGCTTGCTGCAGTTC
TCTGGTGCACTTTTCATGCGATTTCTTACAGTGAGTCCCGTAACAGCAGCTATTAATG
TTGCGATAGATGGCGTGTTAGTCCAGAGCTGGAAATCATTGATGTCGGCAGGTAAACCGA
TAAGATAGAACATCGGTTCCAGTTCATCTAATTTTCGTTGCGAAAAAATAAGAATCGA
GGCATCGGTACGGACGTCAAAAACCTGCAATTATAAGAGTACACGCACAGATTGTGGTTCT

>EP77268 (+) Dm INDY_1; range -499 to 100.

AGAGTATGTATATATCGCGTTGTCTACATTTGACAAACGTAAATAAATTTCAATTACA
TGCGGAGTATACCAAAATTTGTTTGAAGGGTTTTGACTGCCTGTTAAATACAAAG
TATCAAGTATTAACATGGCTTAAATAAGAGCACTTTTAAAAATATTTATATAAAAA
TTAAAGTAACCTTCCGAATATTTTAAATTTACCATAAAGGTCAACTAGGTAAAAA
TAAAGTGTACGAACGATATGTAGATATACCTGTGTAGAATATAGTAAATACGCCC
TACAAGAAGCATGCACAGCAAAAAACAAGTTTAAATGTGTCTCTTAGCGTATTAA
AGTATTTGTATTTGCCACAGAGACAACGACAACCTTATCAGATATTTCCATGTCC
AGGGCTTAAAGAGAGAGCGAGTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG
AATGCGAAAGAAAATCGTTTGGGTTTGGTTTTGAGTTTTGGTAGCATTCGCATAT
TAGTCGTCGAACGCAAAGCAACATATTCATAAAAAGTGGTCTAGCCAACGAATAT
ATATATATATATATGTTATTTTTCGGCGCGGTGGTG

>EP77269 (+) Dm INDY_2; range -499 to 100.

AATGGTAATCACCTTAATTAGTGATTTAATGCATATAACAATTTAAAAGCTACAT
TAATTAAGCTGGTTAATATGATAATAAGCGCTTAAGCCGAACCTGCTGAAAAGCT
GGCTTCTTTTCCCAATACTGACTTTTGGATAAGCTGAGACTTAACTTTAAATGAC
AAAGATATCTCTCAAATTACCCTTTAAGCGTAGCTTAAATCGCTGATCTATCAATA
ACTACGAAAGAAACCCCATAGACCATAAAAATGATTTCAATAATAGGAAAAATGCT
GAGCTAAACAAATTTTCTGAGTGTTCCCTAAGCCTATCTTACGACGACCGGCAT
GCTCACGGTGCCACCCTAGCCGCCAAAAACGTTCTGCTCTTCTCCGCTCTCGCG
CGCTCCACACACACGTGTGCAGCGGACCTACACCTACGTCGCGGCACACCAACA
CACAGAACGCGGGCGGTTGAAGCGGCAGAGCTATCGCCAAGTAAATTCAGTCGCG
CATTTTACCCTTTCCGAATCGGACGAACCGGGCGTGCTTGCTCTCTGCTGCTTT
CGAGATCGGAGTCCCGATAAGGATATAACTACAACCTAA

>EP77270 (+) Dm HR78D; range -499 to 100.

CTCTTTTCGTTATAGCTTTTTTGTAAACAATTTCACTTGATATTTAAATTTGTAT
TTTTTGTAAACAAAGCCCCTTCTTTTTAACTATATCCACATGGAAGGCATCAAC
AGATGTTTCTCTTGATCAATACCAGAGCGCTAATACGGCAGAGCGCTAGTTTTG
AGTACAAAAGTTAAGTAAAACTTGGGATAGGCTTATCAATTTAATCAAATAGCCA
AGGTAACCTCAAAGTATAAAATTTAATATTATGTCTTGTGGGCTTATGAGAATT
AAAATTTGTGTTAATTGATTAAGCTTGACTCTAATTTGTACCTAGACACGCCTT
TGTTATTATTGATATTAGTAATTTCTATTATTATCCTTTGTTTTACGTTAAAA
ATTACAATTTCAACGAACGTAGCTCTACAGGTGTTTTGTATATTTGCACAATG
AGCTGCCTTTTTTAGTATATGGGACCGGATGGTATGTTGAAAGAGCCCAACTG
CGGTCACTGCTCGCAAGTGAATTGGAACAAGGAGATTTATTGCGTTAGAAAAG
GTTCAAATAGGCACAAAGTGCCGAAAAATATCGTAACCTGACCGGAAGTAACAT

>EP77271 (+) Dm REG-3; range -499 to 100.

ACCATCTTAGAGATAAAATTTGGGATAGTGATAAAATCAAATGGAAAATATAA
AAAAATTTGATAAAAAATAAACCTCTTAGATACTTTTACGAGATTGAGTTTTAA
ATTCATAATATATAATCTTATGTAATAAAATATATAAGATCTTATCTCGTTAT
GATTTGCGTGTTTTCTCAGTGTTCAACAACGTTAACTAGACAACAATGTTTTT
GCAAAGACATACCAGACGAGAACTATATATATATATGGATTGTTTTGAGAAA
ATAATAAGATATACTATTACTTAGCCCCAGCAACTTAACCTCATATTGTTATCT
CATTGCGACTCTAAAGCTATTGTGTGTAATCTGATAAAGACCCCCCCCCCCCC
CATTTGGGAGCTAGGCTACGCCCCGTGAAATGGGAGACCGGACGTCGGCAGCG
ACGCCGACTGCGACGCAAAACGAGTTAACGACGATTGGGAAATCGGTTTCCA
AGACATTTTCAATTTGGGCGTTTTCCAGTGTGAAGACCAATTCGAATTTTTC
GTGTTTTTTTTTTAGTCGCCAAACCGTCGCCAGTCGATTTTCACTCCAGCTAG
TGAA

>EP77272 (+) Dm CG18856; range -499 to 100.

TGTGTACTACCTATTCGGAATTATTAGGAGCATGAATAAGAAATTAATTTTAA
ATTTATTATACAGATAGATCGATTACTTTTAAATGGGAATCACGGTGGACAAC
CAAGAGTTCCACGCCAAAGGCAAAATTTTAAATCTCGAGTGAATAATTACTTT
ATTTTTTAAACAATGAAGACATAAAATACACGTAATGAATATAAAATTTGTA
AGTGTATTTGATACATTGAGTTCTATGCGAGTATTTGTTCAATGTTTTCCCA
AATTGCAAATTTATTTTTAATAAACGGCTACACTAAAGTATTACACCGGCGC
ATTTCCCTGGGTGAAGTGGATCCACATAATGAAACAGAATCAACACGACGAA
ATTTTGTCAGTGTATCGCACGCAGCAGGGCTTGGGTCCGTGCTAGTTGGCT
ATTCTGGTTTTCCACCAAAACCGAAATCGAACAGCATTGGCAACCTTCAGCA
GCTGTTTGCTGTCTTTTCTGTTTTCATTATCAAACGCAAAAGCGAACAATAT
GTCGAATTTCTGTCCCAAGCCGCCCTAAATACGCTGCGAAACACGCGCTGGG
GTCGCGGCAAC

>EP77273 (+) Dm NUF; range -499 to 100.

TAATTAATTGGGACAACAACCCAAATGAAGCTATCGAATAATAATCGATTAAG
CAAAAAAGGCGCTAAAGTATATGTTTATTAAGTCGCTTAGTAGTTTCGATAG
GTCTTAGCGAGGACTAGGTCCGATAACAACCTTTGGTATGTGTCTACGATAGT
CCAATCAGACAGTTGAAATAAACTCTAATGTATTTCTAAGGTAAATACTTTT
ACAAGAAAGCTATATAAAATAAGTTCTATAACACCTATGAAAATTATATATG
TGCAAAATAAAAAATTAGATAGAGCACAAGCATTGTGTTTCAGAAACCTGCT
ACTCTGTTAAGTAGTTCAAAATATCAGAGAGTTAACATAGCTAGCGAAAAGA
AGAGTGACCGTGTGTGGCAGCGAAATATACTGCATGTAAGCAATCCTAAG
AAATCAAGGATATTGTGGATCTACGAGACTGGCCACACTTTGCCATATATAAG
CCAAATGCAAAACCGGAAACAACGCGATTTGGTTCGTGCAATTTAGTTTGAAG
CGGACGCATCGCT

GGGCTGGCATATATCGAACTGCAATTGCATTTTTTAAATTTTTACTCGTAATCAAGC
>EP77274 (+) Dm NEDD4; range -499 to 100.

CACTAACTAACTACGCACCACGCACCTCTCTTCTCTTCTCTGCTGCTGCACCGCCGT
TGATTCTAGTGTGTTTGTGGCTTAAAGTCGGGTGTTTTGAATTATTTGGCTCTGCGGTCA
AGGGGTTGCGGTATTTGTCTCTTTAATCAATAAATGCACCAACCGTTGCAACACATTGA
CGCTAAAACCTATTGGATTTCTGTTTCATTGGGATTTTCACTGCTTGCCTGTGGCCGT
CGTTGGTGTTCAGATAATACCGAACAATACCCAACTAGCTGCGTGGCAAATTAGTTTAC
TTAATAAATTTATAATAATATACATATTTATAATACTACAAATTTTCATGCTTTACGGAA
ACTTCACCTTATTTTGATAAATATTTGGTTCAATAAAAGCCTGCGAGCCATTTTATGAAT
TTAACAAGTGCTTCCCTTAACTGTAAAGGCTTCTGGGTGCTGTGGTATGTTCTCAGTGCG
CGTACACGGTCACTCTGGCAGTTTTGTTCTCGATTTTGTGCGCGTTTTGTGCATTTTCC
CGTCCGGTGTGTTAAATTTTATTTAATACTGCGCGTGCAGACATATACAGGCACCTATAG
>EP77275 (+) Dm MTL; range -499 to 100.

TCGATAGCAATTAAAGGGTATTGAACTTACATAAGATAATTTTAAATGATAATTTTTTA
ATTAACAGGTAATTATTACAATATTCTGCTCGAAATAGAATTAAATAAATAATTTTGTTT
ACAATGTGAAAATTGGTTGCAACCCCTCTCCACAACCATGCCTATTAGTATTGTATAAT
GCCAAATCCGCTGAGCCCTGCACCTTTTGCAGCACTGCTTGTGAGTTTCGAGAGAGCGG
AGCTGGACTACCCGCTCTCTTTTTTACGCCAAGTCTAGCTGATTTTTAAGTGCCAATTG
TAAAAAAAAGTTTATTTTAGTTTTGAAAAAAGAAAAACGACTTTTATACTGGATGATATGC
TTATTAAGTTTATGTTATTGGTACCATACATTTAAGTGATTTTTTTATATTTACCGTCAGC
TATTTTCTGGCCCTAAGTTGGCACCCTGTCAACGGCGAGAGAGAGAGCGTGCCTGCGCT
GTCAAAAAGGTGGGTGTGTGTTGTGTGGAGTGGAACAAAAAGGAAAAACACGAAAATT
ATTCGGGGACGCTGCGTTTTGTCCCTCAACAGATATTTATAAGTAAAAGCCGCTGCGAA
>EP77276 (+) Dm CYCD; range -499 to 100.

CGACTGTCAGTACCATCCTTACATGAATGCAGGGTGGCAACGCCCTAGCATATTTTAGTA
TTTTTGATTTTGCTGGAGTAATTGGAACACTTGAGTGATGTGAAATTCACATCAAGAGTA
AGTTTCGTAAGATCGTATAACAAAAAGCTTATTTAAGAAAAAAGTAGTGCAATTAGAAGA
ACTTTGTTTTTATTATAAGGGTAAGACCCTTTTATAGTCCATCAAACCCATTGATGGATT
ATAAGTTTTTAAATGTTCTAATAACAACCCTAAGTGAAACATATTTCAAGCAACAAGTT
GGAAACGCAATGAGGAGGTTCCCTTTTCAACGTATTTGCTTGCCTTTCATTGCAAAGG
ATAGTACTATACTAATAACCGATGAAGATCGATATGTTTTACTGATCGCAGTGAGCAAGA
GATATAACTCCGATGACGGCATGCTGAACTAGTTTTTTTCTGCCATAAGGTGTAACATC
TGGTTTACATAAATGCTTTGTCCACGCCGTTAAGTGGCAAACGTGTGCAACTTCGAGTA
TACTTTTTTAAATAGTTAATTACATTACTCCATGAAGTGCTGTGCCGTTTGTATATAACC
>EP77277 (+) Dm OGT; range -499 to 100.

GCCACGTCTACACTTATGTAAATGTTTTATTATTCTTTCATATTTTTATTTCTTTTAA
ATTTCTATGAATTTGCCAGAAAAATTTTGCCATGACCACTCTAACGCTAACAATTTCAA
AATGTTTTGAAATTTTTTGATTTTTGTATACAATTTCTATTAATTCGCGGCCACGGCCCT
TCTTACACCTTCCAAACCGGTCAAGACCGAACTTTTGATCAATTTGAAACAATTTTGTTT
TTATTTTATATCCAGTATTTAAGCATATCCAGAAAAATGATGAATGAATTTTCGTGTTT
CCATTTTTCACGAGCTGACTAACGGTTATCTGATTGACTCGACAATACCATTCTCTCTTCA
TTTGAAATTATATGTGGTATATCATTGGTATAACATTGATATTATGTTAATATGGTTTTT
GCCGCCGTAAGAATAGGGTATAAGCTATTAAGTTGCTGTTTACAGTGTTCAATATTTGAG
TATGTAAATATTTGATTTTCTTGTAAATCGTATTAACAGCTGAGTGGATGTTTGAAAA
TAATTAATCAGGTTGCTTTTATAACTTAATGCAATTCATATTGATATTTTACTGATATT
>EP77278 (+) Dm LNK; range -499 to 100.

CAATAAATCAATTAATAATGCTAGACGACAACCTGTTGCACTGCGTGTGTTTACAAAAAT
AAGTTTCAAGAAATTTAATTATTTACTATTAACGCAGCTAAAAATAAATAACTGTAT
GCATATGGAACGATAGTTACATATTAATTTAAGTAAATGCAATTTGAAACGTATAGA
AACAAATAAAAAATGTGAGATTGAAAAACAACATTGCTATAAGCGTTTTTTACAAAAATTGG
AAGCATGTACGCTTTTTGTAATGTAGTAGGTAGATCTTTTTTGAAACCTTACATTTAAAT
GTTGGCGCCAAAATATTCCTAAGTTTCCACCATTGTTGCTTACCAAAGTTTACAACCTTG
CGGTAATCGGGTTTTCTGTGGCGAGCGGTCAACCTAGCGGGTAAATTCATGTTAGCGA
GTACACACCTCCATTTAGCGGGGTACGTTCCAGAAAGAACATCGATACAACAAATATCG
ATAGATATACTATGCATATCGATTTTCTGCGGCTCTAATTTTACGGTCGAGGTTTT
TTCGTTTTTAAATCGAAAAAACACAAACAAATCAGTGATAAATAATATTGCAACCAGACG
>EP77279 (+) Dm QKR54B; range -499 to 100.

GGTGGCTTAGGCAAATATACTGAAATAGACCGAAGTATATCGAGGTGATATCGATATGCT
GCACTCATCGATAGGTGGGTCTTATCAGCTAAATCTTATTGGCATTGTTCTTATTGG
GTTTTTGCTTTCAAATAAATTTTTAGTTAATAAAGAAATTCATATACAAGAAAAATATTAC
ACTTCATTCTCTTTGTAATAAATGATACTGCTGTTTTGCATTCACTAGTTTTAATTTT
ATTGCAATCATTGAAGTTAAATTTTTGTAAATTTCAATTTTTTATACGGTAAATAAATAAT
TCTGTAATAATTAATAATGTAAGCAATAAAGAAAAATAACATAAATTAACACTACTAC
CCTTTTCATATCCCAATAATTTCTGATTATTCAGTGCTTACTGTACTAACCGCCGAAGAC
AATGGCATTTTTGCGAATTGGGCTTTTTTGAGCTTTCGATCCGCGGTCACTTCCACAA

TTGTTTTTTTCGCGAATTCAATTGCAGTTTTTTTCGCAACCTTTTAAATTAAGAGCAATAA
TCGAAAGGGCCATTTAACAGCGGTAATTAACCTTTTTAACTAACGGCAAACCTTGAAAAGG
>EP77280 (+) Dm EAAT1; range -499 to 100.

CGCCTCGCTTGTGCTTGCACCCAGTTAAGGCATTAAATTTGTTTTTATTATTTCGATC
GTTTATGTAAATTTATTAGTTTGACACGTTTCCAGTCGAGTGCAGCGATTAAATTGAGC
CGCATTCTTCTGGGAACTGTTTGCTGTTTTTCGCACATTTGCGCATAATTGGCAAGAGTG
TCAATGCTAAATGAGTGCTAATATTAGCGTAAACTTCTTTGCATTGTGTAGTTTCATT
TGTTAGAATTACCAGCATCAAGCTCTCGCTTCCGCCCTTTCCTCTCGAAAAGCGTTCTGA
AAAATATTCCGTAACAAATCCAACCCAACACTGAACAACATCCGTCGGCTTCGTGTCAA
AAGTAACACCCCTCGGATACTGTGGAATGGTGGTCAGGGGTAAGGGGTTAGGGGTTAGAT
GTGTGCATAAATCACAAAAGCCCAGCTGCCCGAATTGACTCGTTTTGGGGTTGTAAATAT
CTGCTTTGTGCGAAAGCTCAGTCGTCGATCGCTGGTCGCCCGGTGAGGAGGAAGCACTAC
TGTTTAACCCCTTGAAAACATCTGGAACAGTTTTACGGTTTTATCATATATAGAAAAC
>EP77281 (+) Dm PIP; range -499 to 100.

CCATTGGGGGGGATGGGTTCAAAGGTAAACCTGTTTTTAATTCTAATTCTCCCTTCCTCT
ATGAAGAAATAGAAAAAATAAGGTTCTTATTTTTGCCAACGTGGTTTGGATCACACGCA
ATATGTTCTATTCAACCGAACAATACCATTAAAGTCGGTAAACCAGCTGATCCAATAA
AGGATATTGAAACAAGTGCCCGAAATTCGATTCTTTCGCGCAGAGAATAAAGACACTTCGC
TGTTTGACGACCTAAATAAATATGTCTAAGTAGATTAATGTCAGATGTGGGGTAATAAT
AAAAATGTTGCCACAGACAAATGGGCTACAGTCACGTCCCCACGAAATCAGTCAGCCAGC
GAACAAAGAGCGATCAAAGAGCGAATAAACAGAGCCAAAGAGAGTGAAGAAAATGGTA
AAAGCAAACAGTGGTAAGCCGCCGCTGCCAACGTCTTAAAGTTGGCCAAAAGGCGGCCA
AGTGCCCCCAGGAACATTAGTCAAGCCGCGATCGCCGAGCTCTACGGACGTCTATATCT
CTAAGTCTTCGAATCGTGAATCGGAACCAAGTGAACCCAAGTGCCGACCGGAAAATTCT
>EP77282 (+) Dm EF2B; range -499 to 100.

GACGATAGCGTTCTCGCTTGTCTATACTTTAAATATTACTGCGTGCGTAGAATTTCGAAAT
GCCGTTTGATCGAAACTATCATAAGTCGTTAACTTTAAAGGCTCGGCATCTATGAGCAAA
TGAGAATATAACTAGCTTTCACTTAAAGTTTATTTTTTATAAGATAGTTTAAAGGATAAA
GAAATATATATATAGATTAGATTATTTTTAAGAAAAATAATTTAGAAGAAATTTAAGC
GGATGTATGTAAATTAATAATAGTGCTTAGCAATATTTATTTATGGCTATATAACAACC
ACGATTTTCGACGCGGAAAATTACGTGGAAAATTACGAAAACGTCTTCTGTAAAATAAAA
GTTTAAAACTATAAAGTAACATGCAAAAATACTATCTGATGAATCTGTCACGTGAAC
ACTATCGATCAACTACTGTTCCGACTATCGAAAATATCAAGAATTGTCCCAGCTCTATG
GTCGCTGCAGCGCTCGCTTCTTCTGTGCAAAACGCCGTTGAAAGGCGTAGTGTTTTTTT
GGTCCGCGAGAAAATCTCCATACATCCAAAATGGTAGGTGCCCAAAGTCAGAAATAATAG
>EP77283 (+) Dm M(4)101; range -499 to 100.

AAACATAGAATTGTTTTAATGAAATTTAATTTTTATCAAGATTAGGCGTCAAATATAATA
ATTAACCCCATATTAGAAATTAATAAACTATAATATAGAAATAATAGCTAGAGCAAA
AAACAGCTTAGAACGGCTGATGCTCTTCTATTTTTTGTATGTATTACAGTTACAAATTT
GTTGGTCACGACATTTACTCTTTACTGTTTTCTGTTTATTTTTATTAACTACAAGCGT
AACTGTTCTTTAAGGTATATTTACAAGGATTTCTAGTTTGTACTTCCATAATACAA
GTTGTAGATATATCCTTTGGCTCACTAAAAAGTAATCGTGTACACAGTGCTCCAAAAAAT
TTTCGGAACGCAGCACAATGAGAAAGCGATATAACACGGACATATTACTGCATACAGGTC
TCAAATTATAAAATGACACTCGTGGCCTTTACCAACACTGGTTTCCTTTTTCCACATAC
GTCGTCAACGTGATTGACCTTTTCCGGTTTATTAGTTGAACATGGCAGTCGGCAAAAAAT
AAAGGTCTTTCCAAGGGTGGTAAGAAGGGCGGTAAGAAGAAGGTGGTGACCCGTTTTCT
>EP77284 (+) Dm GUF_1; range -499 to 100.

AATATTTTTTTGATTATTGTAAATTAGTAATTGGGATATTCTCTTAGATGTTAAAGGCTT
TATTTAAGTTGACTTAAATTTATGATGTTTGTCAATCTGACAGCTGTTAATTTTAA
ACTGTCACGTTACTTTATAGCATAACTGTAATTATTTACCATTACGATATTCATATCTCG
ACATTAGCCTAATTGGATCGTTTCTTATGTTTTTAAAGTTAATCAATATTAACAATTAAT
GAGACCCGCTTAGGAAATCGACGTAAAACCTCTATACTATATCCTCAAGTTATTTACAAT
TGTAAGAGCAGAAAAGGTACGCCTGTATAAAATTGGAACACGTAAATTAGATTTAAGAAT
CCCTTAAAGAAGTAAGTGTGTTTGTGACAATAGGTTGCTGGAGCTTGAACCTAGTGTGA
CCAAACTTAGCCGGCCAGAGATGTACCGAAAAAGTCGGCGAGAAACGTATAAAGGAGTA
GCACGTTGGTATTTTCTTCACTTTTATACTAACTTTTGACGACATCAGATCACAAATTGC
TGGGAGGTTTGACCCCAATCAAAGCAAGTTTACAACAAAAGTCAATTTTCGTTGACT
>EP77285 (+) Dm GUF_2; range -499 to 100.

GAAAAAAAAGCGGCAGACACGTGCGACCTAAAAAATGTGGTGATGTTTTTGACTGAAATA
GCGCCACAGAAAAAAGAAATTTCTCTTAGACTTTGTATATTAATTTTTATGGATATTT
ATAGCCGGCAGCTCTCTCCGTTTATTTTGTGTTGCCATTGCGACTTTGTGAATGCAATG
CTACGTGTGCCGGCATTTTTGCTTATAGTTATTTGCGCCTTATTTGTTTAGCGATTCAAC
CGTATTTTGTGGAAAGTAGGGGGCTCCATTTAACTTTGGGGCTCTGACTCACACCGCACC
CCGATTCAGATCCACATCCCTGACCGACCGGGTCGACTGTACCCGTGCTCTCCGGCACA
TTTGACATATCTGCGATAGAAGTAGGCTATTATACATTTGTATGTATGTATGTACGTGT

ATGTAGATATATCGTGAGGCCTCTAGTCGCTGCTACTTAATCAGATAGATAAATGATGC
CGCCACCGTTTTGGATGTCGTAGTCGCCAGACAAACGCCAGAGCACAGCACCACACAGA
TCATCAGCGAGCAGTCTCCACATCGCCAGTGGAGGAGAGGCACGAAACCGGGCCGCCAC
>EP77286 (+) Dm PP2A-29B; range -499 to 100.

CTGAAGCCCAAGGTTTCAGGAAGCACCGCCAGCTCGTGGAAACGATGACCAGTTGCTTAAG
TTGACCGAGTTTGTAACTTCTAGAGAATTAAGCCTCAATAAATTTCAATACATTTAAT
TGGATTTTTGTATACATTTGAAGAAAAGTTATGGTCACACAGCCTGTGTCAATCTAAAAA
ACACTCGATTAATATCGTTATTAGACATATTTATAAATATTAGCTAAATCACCGAATTGG
CGCCATTGGGTTTTGTACGAATTAGCTTTTGAAGTATACCTAAAAATTAGGAAGTAGAA
ACTAAGGCTACAGAATTATAAATTTCCATGTAATCTATGTAGATATATAATCATATTCTT
GGCCTAATTTAATAAGTGTGATTTTAATATTCTTCAGAATTCAGTTAAATAAAATATATT
TCAGAAAATCTATCGACGCGCGGAAACGCCGATAGTATCGAATGATAACCGATATGCGTT
CCACCTCTACCGTTGTGTCACTTGAAGAAAAAATATTAATTTGCACCAACGACGTACG
TTTTTCGTTTCGAAAAGAAGCAATCAGCGGATAATTGTATGGATTCTTAGAAAAATTGCG
>EP77290 (+) Dm G-GAMMA-30A_1; range -499 to 100.

TAATTAGAACAGCTAGCAGTATTGAAATTGGAATACCACCACTACGTTTTAGTTTTATTG
ATGTTAGCTTAGAACTCATAAAAAGCGGAGAAAATGAAACAACATGTGCGTAAAAAAT
GAACCTTAGGGAAGTTCTAGAACAGCAACTACCCTACGAAAAACCAAGGCAATCGTAACG
AGTTTATGTCCACCGATATAGTTCCAACCTCCAGTTAATGAGCCCGAGTGGGGGAG
CGGTTCAATTGAATTGTGTCCGTAAGTTGGACAAACCAATTAATTTTCTGACTGCCCCG
TTTTTCCGGCGATAAAGAAAGAAATAGTGTGGCCACCCCATTTACAATCCCTTTGCACA
GGTGTGACAAATTCACCTCGTTCCCGGGCACTCGAAAGTGCACTTTGTACTCACTCAAA
ATTTACTCCAGTCTGGCGCTTCCACTTTACACGTTCTCTGTGGACTCAACGTGCGCCT
TGGCATATGCAACGCATTAGTCGCTTGTGGGAGGCAGTTGCATTGATTGCCAGCACTT
TCATCAGCGGAAAAGCCAGAGAGCAGCTAATAGCCGGACAAAGAGTGAGAAAGCGAGAGC
>EP77291 (+) Dm G-GAMMA-30A_2; range -499 to 100.

ACTCACTCAAAATTTACTCCAGTCTGGCGCGTTCCACTTTCACACGTTCTCTGTGGACTC
AACGTGCGCCTTGGCATATGCAACGCATTAGTCGCTTGTGGGAGGCAGTTGCATTGAT
TGCCAGCACTTTTCATCAGCGGAAAAGCCAGAGAGCAGCTAATAGCCGGACAAAGAGTGAG
AAAGCGAGAGCGGAGAGGGAGAGGCAGAACACATTCGCTGGTTGGTCTTGGTCTTGGTAC
CACTCATTCGACACATTTTCTTCAGTTTTCCCTCGGCAGCGATACCAGCCGTCGCTTAC
TTTTTCGTTATTCTGTTATTGCTGGCCTTTGTTTATTAGTGCCTGTCTTCGCTGCGAGCG
GTTTTCGTAATTGAAACGAGAGCGACATAAATTAATTAATACTCGCACACAGTAGC
GCATAGCATCGATAGACGGGCCAACTAATCACATTACCAGCCATCAGACATCAAGCCAC
CAGCCATCAGGCCATCGTCAGTCGGAACCGAAACGAGACCCGCAACACAAGACTCACA
GTTTCGATTGCATACTTTTTGGCGCGCATCGAAATAAACACACCAATACGTACATCAATA
>EP77292 (+) Dm G-GAMMA-30A_3; range -499 to 100.

TGTTTCGGTTTTTCATTTGCATTTTGAAGTTTTTAGCTAAGAGGGCGGCCCTTTTTATGCC
CTGCTGGATTTCCGATTTTTCCCTCACGCTTGTGGTGTAAACAAACGCTTTCCACCCT
GTAAAAGTCAACAGAGTTTATGGCAGTCTTGTAGGCGGCACTGTTAGCCTGCATAACTTG
CTCCCCAAAATTTCTCTATCGATTTGTTATGCATGCTCTGCGCAATCGCCACTCGAAT
TGGGCTGCAAACTGGGACCGGAAATATTTTTTTGGGGATATAGGGTGCCGAACGCGTC
TCACAGCGCCCAAAAGTCACCTATCACCGCTCATCTCATCAAATTAGCACGCCGAAACG
AGAGACAGTCTTTGAGATTTTTATAGCAAGGGTTCTCTCTCACAAATGCCCCCAATGT
GGCGCTCTCTCACGCTCTCTCGTACAATTCATCTTTCAGGGGTGGTATGTGGATAAAT
TTTAGCCGCATGGATCCAGTGCTCTACAAAACATGGATCGGGACGCATTAAAGAAGCA
AATCGAGAATATGAAATATCAGGCCTCCATGGAGCGTGGCCGTTATCTAAATCCATAGC
>EP77293 (+) Dm HRB27C; range -499 to 100.

AGTTAGTCTCAATCCGCGGGTAACGGTCAGCAAAAGGCGGAGTGTCTGGCAACAATAAC
TTCCAGGGCCGAAAAATGAAAAATCTAAATATTTCTTTTTCAACTCTACGAAAAAATAC
TCAAAATTATTTTTCTTTTCAAAACATTCATCCGCCTAAAGAAAGCGACTATAAAACC
TTTTTTAGTATAGTACATACAAATCATATACACACATCTTATTACATTTTTTACCTTTAA
GATATTATTGTACTGCACAATTACATTTTAATGTAAATAATTTATAATACATTTTTTTAA
CCAGTCCCTTTAACTTCTTTATATTTAGCCTTCGTGTTAAAAGATAGATATAAATTCG
TAATTTAAATTTGTTTTCTAGTATCTGTTAGATTGAGAATATATGTGGAGTATGTTTTAG
TATATTCCGTGCAACTTGAGGTATTTTTTTGGCTGGCGGCGGTACACACAGCATTAACG
TGGCGGCGATTTATCATATAAGTTAGGTTATAATATCGTATGCATCAAAATCATACAATT
ATTTATAAGCTAGTTTTTTAAGGAAAAAACACTTAAATTTAGTGAATTTGCAGTGCGAAA
>EP77294 (+) Dm BCDNA LD24380_1; range -499 to 100.

TCAGGCCAGGTGATAGGTGTTCCCCAGCAGAATCTGGCAGTTCAGCTCGATGAGCTGGT
CCGGCACGATGCCCTTCAAGGTTCCCTGAGTGCCACGGGCATAAAGACCGGGGTGTTTA
CCTCGCTGTGCTGTTTAGGAGAGTTGGTAATGCGGCTTAGTCACAGTTTTCAAGGCCTA
TCTTATTGCAGACGCTCACCTTAGGGTCATCAGTCCCGCCCGGGCTTTGGAGACGGAGCA
CTCGGCCACGACCTTGTAGGTGAGCGGAGGAATGTGGCTGGGACCCATTGAGTTAGCAAA
GTCCAGAAAATTTCCCGTGAAATGTCTTATGTTTACGCGCAATACGCCGCGGTGCACGT

TTCAATCGCGATTCTGTGTGACCACTTCGCTGAAACCGGGAATATACCAAATCCTGCGC
GTGGCTATCGATTACCACTTTGATTGGTTGCCGACAAATATACACCTACTTGCGTATAT
TGTCAGTTAAGATTACCACTTCAGATAGCAATTGATTCTGCGTGGAGGTCACGATGTCG
ACGCAACAGCAGCAGTTAGACTATATAGAGCGCCACCTGGTGTACGACATCTTCAAGAAC
>EP77295 (+) Dm BCDNA LD24380_2; range -499 to 100.

ACCATGCGCCGGATTCCGCAAAATATCGAGAATCTAGAGCAGTTTTATAATTAAGAACTA
ATTAATAAATACTAAATAAAAAATAAACATTGATTATTTAATGAATATGTTAGACTAAGT
GAAAAGGGAATAACATTTTATTGGAAAACATCTTTATTAGACATACAATGTGAACGATTT
AACAAAATAATTTACAGGACAAGAAATAGCGTCAATATCTGAAGGTGAACCTAGTAGAA
ATGTACCGTGTTCATCAAAATATAGTTTTATTACGTGTATATCGAAAAGTCTAAATGC
ATTGCAAATAATTTAAGAATTAGTTTATAAGCTTGGCTATTGCACTTCCATCATATTTTA
TACATTTAAACATCCGTTTTCTTAAGTCTAAAATTTGTTGTATCATATATTTTAGTATT
CTGCCACCCACATAAGGGTTAACTCGCTTGACTATTTCCACGAATGTACGCCTGGTCCCA
CCAAAGGCCACGCCAAGTTATTATTTTCGCCATTTCCGCCGTGTTTCGCTACGCAGCTTCT
CGTCAGTTCTAATTGGAATACAACCTGCAGATCCTTGCAAATTCATCAGCAGCAAAAGAAG
>EP77296 (+) Dm DBP25F; range -499 to 100.

CAGGCAGGGGGTTATTTTCGATTTTGAGTGAAACAGTGCCGCCTCTATTGTTTCGGCACTT
AATCAGTTATTTTCAACTTTTTCTACAAGTTTTCTAATGCTCGTAGATAGCAGCGCAACT
CACCTGACTTTTTATAACGAACGGAAAATGCACAAATTTGAAAATGAAGTATCTTGACGC
AGGAAAACGCGGCCGACGCTGGAACGTGTAATCGAATTTGTTGCGATGGTTTCAGAGACT
AATCGATAACTTTCCGGCATGCTGGTGTGACCAAACGCCGCGCTAGATAAAAGACTAAG
AACCCTTGACCCCAAATGATAAAAAAAATTAATTTAAGCTCAACAAGCCATTTTA
ATTTAAAGCGTTAGAAGGCATATATTTTATAAAAACTTTTTAGTTGAAGCTTACAAATGG
ATTTGTTGTGCACAACATATCGATAACTTAACGATATCACCCGGCTCAGCTCGCATGAGTT
CTTAAACGTACTTCGGTCACACTGCTCTGCGCTGTTTTTCCTCCGCATCACGTTAAAGA
TTTTAAAATAGTTAATTTCACTTTAAAAGCTGATTTTTAAAGTGATAAACGTGCACAAAA
>EP77297 (+) Dm NOPP140; range -499 to 100.

AAAAACGTAGGTTCTTACATTATGTTATATATACGCTAATTGTTTGAATACAATTTAAT
AATACAGTTTAGTAATTTATATATATATACATAGACATATAGACATATATATATATAACA
AATTTAACAATACAAATTTATTGTTATATATGTCTATGTATATATATATATATATATA
TATATATATATATACAAAATAAAATTACAAATTTATTGTTATATATGTCTACATATATA
CATATACATATATATATACATATATATATATACATAGACATATATAACAATAAATTTG
TAATTTTAGTTTTGTCTAACGTAGCCTAGCGTTATTTCTAATTTCAAGATCTTTGTGCGT
GTGGCATAAATAAATGATTACAATTGATTGGCATTTCGAGTTATTCTTGGGAAGAATAC
CCGCTGCATTGACAGTGTTGAGAAAACGGGGTGACGGGGTGCCACACCGTTGGCAGCCGC
GTAGTGCTGCCATACCACTGATAAGTAGAAAAACAGTGTGAGTGCGCATTCTTTTTGTG
GGACAAGCGGCTAGTAATTTTGGCGACGAAAAATTTGACGAATAGTTGAATTAATCA
>EP77298 (+) Dm RPS18; range -499 to 100.

TACATGTCCACATCCTCGAGTTGTGCTGCTTGCCGTCGCGAGCCATGGTGCACACGATG
CGCAGGGAACGACATCGTCTGTCCAACGCAGCTGAGTGCTTAAATGCAATGCATTTTT
ATCAATATTGGAATTCGCATAGCTAATATAATTTACCATTTATTTACCCATTCTGAAA
AGCTTTCATATAACGGTGCTCTAGGGATGCAGTACGATAAAACGTATTACGAAATGTGGG
GAATAAAATATAAAATATAAAGAAACATAAAATATGAAGTTAATTTTTTAAATGTGCAC
ACAGAGCATATCTAAATGGCACTTTAAGCATTTTCATTGAACAAAAGTTCGGCGCCTTTT
GAATTTTTAAATTTGCATTAGTGATGGACCAGAGTGCGCCTAACAGCACACGGCGAACTA
TTAACAGCACGCGTCCCGAACGTGGCAGGCAATTTTAGGTTTTTTACTCCGCCTCAGGCA
GCCACATTAATTCGGCCTTCTTTCTTTCCCGTTTCCGGTGAGTGGTGTGCTGCCCAT
TGATTTTTCCAAAATCTAAAACAAAATACCTCTTAATCTTTACAGTGAGGAGTAAATA
>EP77299 (+) Dm SN; range -499 to 100.

ATGCAGTTTTTGGCTGCAGCTGCAATTAATATGCAATGCACTTAAGTTATGCACATTTT
CTTTGCCAGGGACCGTTACGATTTTCGTATTTTAAAAGCCGCGCGAAAGCTAACAGCGCT
GTTGGCTAGCAGACGTCTGTTCTGCTGTTGTTAGCCAACAGCCAACAACAACAACTGG
CTGTTGTTTCGAATGCACTGCGATCTTAGCTCTTTCCCGCTAAATGTTTCTTTGTGTGT
CATTTTGTCAACCATTCGATCGATATCGATATTCCTTTGTGAAGGCTAAAAATAAAATTC
TTACATGCTCATCTTATACAATAATGGATCGCACATATAGCTACTCTTTTTCATGTATC
CAATTCAGTAAAGCTACAAAGATAGCCAGACGGCTGTGCTAACAGAGCGCTGCTATG
GTGAGAAGCCGCGCAATGGCAACAGTGCCATCTCTGGCCGGCGATACAAATAGCGCAAC
TTCGCTCGCAACGGGTTTCATTCCCCTGAGTGAGTTCGTGAGCGGTCTTCTCTCTCT
CTCTCTCGCAAAAGTAAACTTAAAGTTTTGTGCGCGCATGCGTCTCTCTTAGAAAAAC
>EP77300 (+) Dm RPL32_1 E1P1+; range -499 to 100.

TATGGATCAGAACTTATCATGTGCTGGTATGCATTGGGTGCTCTAAATCCACGACTTGG
ATGCTTTTGTATTAGCCTCTAAACCTCGGGAACACCTGCTCTTGTATCGCTTCTGTGAG
CTTTTTACTTTTTATTCCAGCTTTCTTATCGTTTTTTATCAGATGACGGTGTGCAAA
ACATCTATTGAACAGCTGTTGCATCCAGTGTGTAATGAAATATGTTCACTGCACAGT
GGGTCAAGAGGCAAGCATATTTAATTATATAACAACTCCACCAAGCTGAAAATAGTTC

CATATTTTGTTCACATAGTTGCAATCGTCGAGTTGCTCGGATAGTGATTAAACCTGCA
ACACCTTATTTGACGCGCCCAAGTTTAAATTCATTACACGATGATCCGCAATATATCGCT
TGGCATCGCCATGAACGAAATATCGGCGAATCATCGACGCACGATCGATGTTTTT
TCACACCACAGCTTTTTCTTTCTGCTTCTGGTTCCGGCAAGGTATGTGCGTGATTTG
GGCCACGTGTATTTCCATTAATTTAAGCCGTAATTGTCGTTTTTGGCGGTTTCGAGTT
>EP77301 (+) Dm RPS19; range -499 to 100.

GTATCGAAGTCACTAGGCGCCGATGAAAATACCAGAATATACCAGGGCCAACAGGTGGCG
CTCCAAATGGCGATGGTGTCTGCGCAATATCGTTGTCTGCGTCATCGATGGGCCGCTTG
TTATTCGATAGACTCAGAACTAGCTTCATGAATAGTTATGTAAATCGTTTGCTAACAAA
ATAAAAAGCAGTTATTTATGAATAAAGTGATACAGCAAAATATGAATTGTACTACGCATT
CTTTGCCACATTGAAAATATACTAATACGAAAATGCATGTTTAGACAAGGTCTTCAAAT
GCCAAGTAATATATAATATAATCTTGGTGTGCTCATTAAATTTAAATATTTTTAAAAATAA
CTATAAATTGAACACATACGTGTTAGAGTATCATTAAACCGAATCTTCGATAGTTCGCCGC
GCCGGCATTTCGATTAATCGATACTATTGCTGGTGGCAGGCCAGCACTATTAACCGCAGC
CAACTTCACGCGCTTGTCTTTTTTCCGGTTGACTTTAACGAGAAAGGTTGTGCACGAA
TTCTTTTCAAGTGAATTATCTTTTTTTTATGTTTTGAATGGGTGAAATCAATGAAAGA
>EP77302 (+) Dm H4; range -499 to 100.

ACGTAACGCGAATATTTTCGATGTTTTCGGGGACAGGTGCAAGTGAATGGAATAACTGGGTA
CTGTTAATATTATTTTGGCACAGAGTTCCTGTTGTCTTCGCACTTTTCGAGTACAGCACT
AAGTGTGTATGTGTGGTGGCCGAGTGTGTGTGCGGTGCCTTGGCAGCGATTTTGCTGGC
CACACGCCGTTTGCATGCGCATTTCCGCGGGTTTTACTCGACTTTTCGCCGCGACTTAAT
TTTAAGCTAGAGGGGCACAGTTGAAAAAGTATATGCGCGCTGCATTTTCGTTTTTCGC
AGGTCTGCGGGCCTGTTTTCAAGCGATTTTAGTGCGAGCACGTCTTCGGTTCGATTAAA
TCTTTTTTGTGCAACGGGGCGCGATAGCGATGGCCGATAGGCGATAACTGACCAGGGC
TGGTAGTGAGACAATAGAAATACTAGATACGCGCATTTTGCAGAAAGGTATTTGAGGTGT
GCGAGATCTGGTCACGCTCACAAGCAATTTCTGGAGATTTCTGAAGTGAGTTTTGTTG
CTGAGAAATTTAAGTAAATAATAGAAGAATCGGTCAACAAAGTTTTTTTGTGCATAAACA
>EP77303 (+) Dm BCDNA GM12270; range -499 to 100.

TCTCTGGCCGGCTAAGTTTGGTCACACTAGGTTCAAGCTCCAGCAACCTATTGTCACAAA
CAACAGTTACTTCTTTAAGGGATTCTTAAATCTAATTTACGTGTTCCAATTTTATACAGG
CGTACCTTTTCTGCTTTTACAATTGTAAATAACTTGAGGATATAGTATAGAAGTTTTACG
TCGATTTCTTAAGCGGGTCTCATTAAATTGTTAATATTGATTAACCTAAAAAACATAAGAA
ACGATCCAATTAGGCTAATGTCGAGATATGAATATCGTAATGGTAAATAATTACAGTTAT
GCTATAAAGTAACTGACAGTTTTTAAATAAATTAACAGCTGTCAGATTGACAAATCCATGA
AATTTAAGTACAACCTTAAATAAAGCCTTTAACATCTAAGAGAATATCCCAATTACTAATT
TACAATAATCAAAAAAATATTAGAAAATATCGATAACATTCTGGTCGTTCTCGCAACCCT
AGTCACAACGCGTTTGGTCAAATTTAGGATCAGTCGTTCTGTTCTGTTGGAATAAAAT
AAACTCGGGAATTAATCTTGAAAAACGTGCGAATCCGTCATCTTTTATCTAAAAAAC
>EP77304 (+) Dm CG9281; range -499 to 100.

CGAATTTTGAAGGCGTTATCTGCTGATATATCGTTTAGTGTCCAAAACAAATATTCTAAC
GTTCACTTCAAGCTATTTAATATTTATAGATATTTTGGAAACACTTAAAGAATAAGTTT
GACAAAGTATTTCAAATTTTTATGAAATTGTCTCAGTGTCTCAATTTCTTTGTAAGTAA
CAGCATATCAATATTATATTACATAGAAATATATAATGCATTACAGCTTTGAGCGAATCAA
AACTATTGCTTTTATGAAATTAACCTATTATGCTATTAATATTATATGTTTCTTTCA
TTTTACAAATTATTTAAGACTTGAATCGTAGCGATACTAGCTGATCCGCTGGCCCTGCCA
GTGTGCCCCCTCGCCCGTGTGCCAGTGTGACCTTAACGCATTGGCGACCGAATCCTCTCCC
GCTTCGCGGGTTCCGTGCCAAACGCCATCGCCACCACGTGGAGCCTTTCTCCCGTTCTGT
TCCGTTCAAGTCGTCTCTCTTTTTCTACCGAAAACGGTAACAGGCAGCAGGCACTTTTT
AGCAGCTGCTCCGTGCGTGCCTGTGTGTGTGCGAGATCCGAACCGAACCAGATCTGTTCCG
>EP77305 (+) Dm CG3249_1; range -499 to 100.

GGAGGTAATTAATCATTGAAGGGATTTCAAAAATCTATGTATGCATTCACTACTAACTA
GCTTGGTCTTTTTTTTATTTTGCGCCGCTTTATAAATTTAAAAAATATCATTGGAATT
ACACACATCACTGTGTTAAATTAAGAAGATTTTTAGTGATTGTTTTCTTTGAGATAT
TGAAGTCGCTATCTGCTCCTATATAATATTATTTTCAAATATCGATTTATAGTGCCT
ATACTGACAAAAAATAGGCTGAAATTCGCATGAACAAGCATATTGTGGTAAGACAAAATG
AAATCAGAACTTCCCAAGAACTACGTTGGAAAATTACAAATGCCCAAAAGTATTGCTCCA
CAAAATATCGTAACGAAATATCGCGAAATTTGCAACACTTTTGTGCACATTTCGGTGGCAA
CGCCGCCTAAGAAAATACCTATTGCCCAATCGATACCTATCGATGAGCGTGGGCAGCCC
TGTTTTGTGCATGTGCTGCCATTTCGATTTGATAACCAGCACTCCGTGCACACGTTTTTCGG
CTTTCTAGAAATAATTGGGCTGCGATTCAAACGTGAAGTGATTTTTTCTATATTTTTTT
>EP77306 (+) Dm CG3249_2; range -499 to 100.

AGTGCGCTATACTGACAAAAAATAGGCTGAAATTCGCATGAACAAGCATATTGTGGTAAG
ACAAAATGAAATCAGAACTTCCCAAGAACTACGTTGGAAAATTACAAATGCCCAAAAGTA
TTGCTCCACAAAATATCGTAACGAAATATCGCGAAATTTGCAACACTTTTGTGCACATTC
GGTGGCAACGCCGCTAAGAAAATACCTATTGCCCAATCGATACCTATCGATGAGCGTG

GGCAGCCCTGTTTGTGCATGTGCTGCCATTGATTTGATAACCAGCACTCCGTGCACACG
TTTTTCGGCTTTCTAGAAATAATTGGGCTGCGATTCAAAGTGAAGTATTTTTTCTAT
ATTTTTTTTTTGTGTGCACAAAGGCTCTTGTAAATTCGAGGATTTGGCCATCGCGAGTGCG
GGTGATTAAGCAGGCAGCTCCGATTGCCAGAGTTTGGCGATGCATGGCAACACTGCCGC
ACGCCGGCCATGTTATTGTGATTTGTAAGGTTGAACGTAGACACGTGTTTAATTCGTG
CAGCACTTTAGCGTTGAGAAAACGACAGTAAATCGCCAGCAAATAAGCAAAAACAATACA
>EP77307 (+) Dm L(2)04154; range -499 to 100.

AATTTAGTCCGATTCATTAAGGCAAAATATTTAGAAATATATAGGACTGGTTAATAC
CAGTCATTTTGTAAAAAGAAAGTATTTCTTTCGACTATTATAATATACGTATATAAAT
ATTTTTTTATTTAGATCAGTGTTACTAATACATTAGAATAATATTATCGTTAATCAAAAT
ATACCAGAATTAATAGTTTTCTTTGAATATTTTTATTGGGGTATATAAATATTGTATT
CAGATCAGACTAACATATGAATTATAATATAATTACAGGTAAGCAATGTGGTTAGCTTAG
GATAATAGCGATAGAGTTGACTGGACACTATCAAGAAAGAAATTTAAATGCATTTTAAAT
AAAGAATCATAAATGGTATTAACAACGAACATGTATACCAACTTAATTCCTTGTAAA
AAGCCCGCCAAAAGTGAGCAACGAAAAGGGCACCCATTATTTTGGCGGTATTTTTAGT
GCTTGTGGTGCAATACTATCGATTGTGACACCTCTTCTAGTGAGCAGATTGAATGTG
GTCGGCTGACGAAAAACAGAAAAGCCATTAGAAATATGGTATGTAAAAAGGTGAAAAAT
>EP77308 (+) Dm MFAS; range -499 to 100.

TTGCCAGAAACGCTCTAGGTGCAAGTTTAAACAGAAATGATTCTAGGAAATTGAAATAC
TCGAAATGAATAAGTAGTTTGAAATGCTCGCCAAAGCTGAAATGATATGAGTCC
TATATTATAGGATATATTCTTCAGATTCTACACCGTTTTAGTTGGGTTTTGTATCCAA
ATTCTACAGTATTTGAGTGAAATGTACTATGATTAATAAAAGTGCTTCGTTTCGCTCGC
TTCTCTATGAAGTGTTAATAGCTGGCACTTTCACAATTTGTACGAACCTCCTGCCACCCG
CACTATTTGCATATACATATGTAATACACACATACATACATATATAGAGCTATTACCGA
TTTCACAGCGTCCCCAAAAGTCTCTCTGTTCTCCCAAAGCTCCCATGATCACTACATGC
GTTGATATCGCGGCAGAGGAATCGACGCGCACTGCGGCAGAGCAGCTTATAAATACCAGA
TGCTCGACGTTCTTGGGCAGTTAGTTTTAACTGCGACTTGAAGCGGCAACATCGTCGGA
TCAAGCAACATATAACAACCTTCGTGAGTGCCACAAGTGCCCTTTTTTACGATTAAGT
>EP77309 (+) Dm CED-6_1; range -499 to 100.

AACGACTTCAAGTGCATATGCCCTCATATTAGCTAAAAAATAAATCCTTTAATTTTCGGT
AATATTCGGTTTTTTTTTAAATCAACAAGCATTAAATGAATAGTTCAATTTTTATATT
ATTTTTAAATGAACTTAAATAAATTTTTAGTATAGCGTTTAAATAATTTGTTACAAACGA
GGAAAATGTGTCGCTGTATTTAAACAATAACTTATAAAATATTTGTTCCATTTTTAAAT
GTATTAATGTTTATGTTATCTTTTGTCTTGTCAACTTGTCTGATAATGGTGCCACTTAG
AATGTTTCGACAGATGACTCATCTGGTGTAGGGCGTCTACCAGCTTCCCTGGCCGACCT
TCCTGTCCAAGAACTAGTTTTACATCTGAAGCCTCTGCTCTCTGGAAGTGCATCCAAG
CCGGAGAGAGAGCCGACGCCGACTGCGCAGCTTGAGAGCCGTGTTTTGGTCGCAATGGC
AATCGCTGCCAAGCCAGTCAGTTTGTGATGGGCGCGTGATCGGTAAATCGAAGTAGCGG
ACCGTGAAGGTGCAGAGGATATTCCACAGAGCACACTGTTGTTGTTGTTGCTGCTGGTCG
>EP77310 (+) Dm CED-6_2; range -499 to 100.

CGCGCTTACTTTCTACACGTTTAAAGAGGATTAATTTGAGACTGAATGTTAATTTCTTTG
TGTATTCCTGCGGTGTGTATAGTTTTATAAAAGTGTCTAGGTCCAAGTGCACCGATCTCG
ACAGCTGATGAAGGCAACAAATAAATCAGGTTTGAGTCTGCGATGACGCAGATGGGATTG
GCATTCATGGATCCCGATCTCCACTCCGCCAGCCATCGAGCAGTGTAGATTCTTTGCT
GTCCCTCTCTCCGAACACGATTTGCAATTAGCCAAAAGAATACATTAGATTGAGTTTGT
TGTATAACGATAATTAGCAGTACAGCGGCACTGGTATTTGTATGCACACTGTATTTTAT
ACTCGAGGGATCCGAGAGGAAAAACCAACAATGCCGGCGGGCGGCAAGTTCAATCC
GTAGCTCATTTGCCAATTCTAATTCGAATTCAGTCCCTTAAACGCTTAAAAACGGCGC
CGACCACAACAATGCCTTATCAGCCAGCCAAACAGCGGGGACGTCTGGTGGCAGCAAGG
CGGACGCCAAGATGGCCCAAGCTTAAAGTTCTGGAACAAGCAGAACAGCAGCAAGCAGCAGC
>EP77311 (+) Dm MSR-110; range -499 to 100.

GCACAATCACGTGTGTAGCTCAATTGTAGGGTCCAAAGCAGCCGAAAGCTTTTTCTATGC
CTAAGCTCGGCTTGAAACGAACAGTAATCACTCGACTACATGGATTTCTGACCTTTTCA
AATTATTATATAAAATATTGTACCTATACTATAATATATAAAATATTTGAAAAGTATAC
TAATAGCTATATGTTTTACCTTAAGTAATAAACAATAACTTGAGTGCCTACTGTGACCCA
TGGACAAAGTGTGAGTGTGTAGTAAGCCAGCCAGGCCGCTTGAGTGTGTTATTGTTGAT
CTTTTTTGTGTTTTTAAAGCTTAGCTTTTTGTTTTTCGTTCTGTTTTTTTTAGCTTCGT
GCTGATCGTGACGTGTCTGTCTGCTTCACTTACCTGCGAGTGTGTGTGTGTGAG
TGACCGCTCTGCCGCACTCGCGCTCGCAGTCGCCGAGTGAAAAAGTTTTAAATCTGGTA
GACAAATCTGAAACGAAACGCGTTTGTGGCTTCAGACGGCGAGTGGCAGTCGTACAACAA
AGACGTAGTAATCCAAAGTTTCCAGAGGCCAAAAGTCTCCCTGCTGAAAAGTTGGTCAG
>EP77312 (+) Dm UBC-E2H_1; range -499 to 100.

GAATTGTACCTTTTCGATTTTGAATTTAAATAACACTCTCGGTATTTGCAAGAAAAATAAA
AGAAATAAATAAAAAACAATAAGGCAAGAGTAAACGAAGCTGCAATAAAAAACAATTGATG
TTTTAAAGTACTACGTTAACAAAAACAACACGTTTTTACGTCAAGCAATAGAGCTAATT

TAAAAGATTGTTATCTCTCATTTTTTAAACACGAAATAGAGATCTAAATACAGAAAACC
AAACAAATTACAAGTTTTTAATTAACGCATTCAAAATGTAACGGAACGAAATTACAATTGT
AAGAGATGAAAAATAATAAATGCAAAAATTCAAGTATACATTCAACGAGTTTAAATTTCAA
ATTCTGAAAGCTGATTTTTTTTGAAAATTGTACGCAGAATAATTTAGGTTTGAAACTCGA
CTTGTGGCCATTGAAGCTTTGAACCACTTTTGTTCAGTGGTATATTTTGAGAATCTTGCG
GTATATTTTAAACGGTCATCAATGGTCACACTCTGCAGGCGCTGGTCACACTACAAATTTT
CCAAGTCTTTCATATTCGGAAAAACAAAACAAATTAATTAAGTAATTAGACACGAAGTA
>EP77313 (+) Dm UBC-E2H_2; range -499 to 100.

GGGGTCCATTACACTAAGAAAAAAGAGCCACATAAGAAGTTAAAAATTTAACGTAAAGAA
GCTAACAAATTTATTCCATTTACCATCTGGTTTTGCCTTGAAGTATGCAATATATTCGGC
AGACTACATTTTGTCTATTTTACCGTTTTCAATATGTTTATATGAGGAATTTGGTAAC
TATTTTATTACTTTTTTATAATTATATTGCCTTTATTTAAGTACTCATTAAAGTGTGGGA
GCTGCCATACGCAAAATATATTCTAATTTGAAATTGAATCGCAGTTTAGTTTTTCCCGTG
TACTGCACTCAGCAATCTCTCTCCTCGTCCCTCTTCTTCCACCCGTCAGCCCCACC
AACCTTCTCTTTTTGCGCTTGCTCTCCCGATTGTCGCTCTCTGCTTTATGCTGGCGTCG
CTGTGCGCGTCAGATGCTCGTGAGCTCCAACGTGCGCTGCTTTCTGCTTTCTGCTTTGGG
GGCTCGAAACTCTGTTGCCAGTTAATTTTCAGTAAGTGAAGTAGACAACAAAACGA
GCGAAAAACGAAAAACACACACATATGAGGCTGATATATGTGGATAGGGGAGACGGAGGGC
>EP77314 (+) Dm INT; range -499 to 100.

CAGGCCGACTTTTTAATGGCTGTGAAATTTATGCTCTACGATATTTGATTCCAAAAACAA
ATGTGTAAAATGCCGCCAACGCACCGAACGTCGCTATGCGCTATATACTTATTGTATGAT
CTAGTTATGTGCGTGCGCCATTATGGTCTAATGTATAGTATATACTAATATCGTATGCCT
CATCTCGCTCTGGCCAAAATGGAAAATTGGAAAACGACGCGGCTGTGTGCGTGATACA
AGTTTATGTTTCAGCTGCAGCCACCTGAAAAATTCACCCAAAACACATCGAACACAGCC
AACACAGGCAGGCGCACCCACCACCACCTTGTGGCCACATCGGCCAGCGATATGTGG
CATATAGCGCTGGCCTGCTCGCACACATGGCCAGCTATTGGCTATATAGAAAGGCGATCG
GTGTGTGCGTGGAATGGCTTTTCCGCGAACGCGACGAAAAATTTTAAACATAACGTGT
AGCAGCGCTTTTCATCGTCAGTTTGGTTAGTCGAACCGCAGCATTCGCTCCTACGACGTC
AGCTGCTCGGACTTCAATTCAATTTGTTTTTCTCCCTAAGTAAGTTTTTTTTTCTGTT
>EP77315 (+) Dm PUG_1; range -499 to 100.

TAGTTTTTTTTTAAACATTATGATGCTCTTAATTTTAAACGAACGCATGAATTTTATTAG
CTAAGCTAACCGATTCTGATTAAGCCGCATTTTAGTCGTTGTGAAATAAAACCAAGAAGT
AATCTGATTTGTGTTTGAATTTCCGGTTCAACCGGAAATAAAGATATGTTTGATTTAAATA
CAAGTAAGGTGAGGAAATTTGGTTATTCTTTTTAAGTAAGTGTCAATTTTAAACGTAGTA
CTCTTAGTACTTAGTTTTTACTTTTCTTAACACTGACAATCATAAGTCGTTTCGATATAATA
CCACACAACGCCTTGTATCGATAGCTATCACAATGTCAAAAATTCAAGCTTATCGATAA
ATAAAATATTAAGTTCTGAAACATAGATTTAAAAAGTAGAGTTTGAAAGAAAAGCTGGC
AAATAGCTGACCAATATTTTCGCTACAGCGTTTCATACCAATGGGAACACACCCTTGTTA
ATAGTATCGAATAACTATCGACTGCTGTTCCACCTCCAGCAAAAACGTGTGTTTTTGTG
CGCTGCTATTTGTTAATTTAATTTTTAAGTTGAAACAATTATGTCGGCGCAATATCAAA
>EP77316 (+) Dm PUG_2; range -499 to 100.

ATTGCCCAGGTAGAATAGTAGTTTAGTACAGTGGTACCGATTCTCCTTTTCTTTTGATTG
AATATTTTTCAGAACATAATATAAATAGGGATAGAAAATCATTGGTTAGTGATGCTTTCC
ACAGTGCACGTATTTGATGAACTCGTTGAACTTTTCGAGTACCTCTTCAAGTGGTTGATAA
CGGAGGCGGGCGAATTTGATATGGAATTCGCTATGCCAGCAATTTCTCGGTTAAAGCCA
TCGTATAAGCTTACCATTGCACTTCTGCGGTTGTTTGTCTCCAGAGATTGGAGCATGT
TGTGGTACTTAGGTGCCTTGGCATACGTACGCCGGTGTGTTCCCGGTACCAATCGCAA
GATGTGACCCGCGAGAAACCCGAAACCGATAATCTCGAAGGCGTCTGATAAGGGAGCGGG
ATTACAAAAAATAGAGAGAGGCACCGGGCGGAGCACCTATGTGGGCTATAGATAGGGGTG
TCCGTTGAGTGCTCAGCTCAGTTTGCATAGCGCGAGCCGAGTTGGCGTGGCTAGTGAGGCG
GTACTTTTCGGTCATCTGGACTAAAAAATTTACGGGCTTGCGTTTTTTCAGCGGAGAGTG
>EP77317 (+) Dm CG17352; range -499 to 100.

CCAAGGATCTGGCCATCTGCATTAAAGGCAACATCAACGCCGTTACTCGCAGGGACTACC
AGGAGACTTTTGAAGTTCATTAACACGCTGGCCAAGAACCTGGAGGGTGCCTGGCCAAGA
ATGCCGTTGCTGCCAATGACTATCCGGCACTCAGTCCGAGCAGCAGGCCTCGCATCTCT
AGAAAACTACTCAGCGATGCCTTGCTCTCGTCACCATATTCACAATATTTCCATTGTTT
TTGTAGATGTGCATGTCCTAGGCTAAAAATCCGTGTCCTCGATGCATGTTTCCCACTGTT
TCATTGTCTCTGCGAGACGCAAAAAAACCCTGATTTCCCTTTAACGTCTAACGGA
GAAATTTCAAATAAATGTATTTTATACCGGACTCGAGAGGTCTTTAACCCAGTCGAGGG
TGGGCTCGTTACGAGGCCCGGTCCACTTGTGCGGCTTCTGATGGCTCTGGGTTTATTGGA
TTTGCCAGCGAAATGGCCACAGTTGTGTTCTAACACTTGCGGCGACCGAGACCGGCT
TCAAGCGGAAGGGGCTCAGGATCCTGTTAGAAGGACGAAACTATCGATGCTAGCCGAAGC
>EP77318 (+) Dm GST2; range -499 to 100.

ACAAGCTTCATCCACTAAAAGCCCAACAAATATTTACTGCCTTTTTTGTACTATAAT
TGGTTTATTACTGAGCTGAGAACCTCTCCAAAGAGATCTATTTAAATGCCGACTGAGAG

ATTTTAAAGAACAGAGAGAGAGTTCATTTTGTATGAAAAGCTAATTGCCAAATTGGGA
AGCCAAAGCCTGCTGGAATATTGCATTCCATTTAAGAAAAGAGGGTAGGAAGAAGAAGAA
CTGGAAACGTGGCTAAATATGTTAACTAATTCATTAACCTTCGTTTCCTTTTCAACGCCCA
CTGGAAGTAGAATCAGCCAA
ACTTAAATTAACAACTACCTTTTTCCAGTTAACCGGCCGGCTTACACACACAGTCAAA
CGCCTGAAGCTTGAAGAGAGTGTGTGCTGATGAGAGCGGCAAGCGTATAAAGCAGCG
TCGCCGGCAGAAAGTCAAGTGCAGTGCAGTGCCTGACGATCGGTTCAAGTATAGC
TTCCAGTGGCTGGAGAGAGTGAAGTAGAGAGTAACGGAAAGAGAGTGCGAATCGAACC
>EP77319 (+) Dm CACT; range -499 to 100.

GTCCGCTCGCGCTCATACGATTTCAACCGTAGGACGCCGAGCATCAACATCAAGTGGC
TTCGCTCGAGGAACTAAACAATCACACAATCAGAGAGTAAGAAGTATAAATAAACGCATC
GCTGCTGTGGTTGCTTTTGTGAGCTGACCATTTAGCTGCTCATTTTGTGTTGGGAGA
TTTTAACTTGGCGCTCTCCCTACTATCTGGCAACCCTATGGTCTCCCTCGCACACATGTA
AACTGATTTAAGCCCCGATTACACACTCCATCGTCGATATTAAGGCAAACGTTTCA
CTTCGGTCTTTTCAAGTCTAGAATTTTATTTTTTTGGGCAAATATGAAAAATAGATTT
TTTTCAATTAACAGTTTTCTAAGTAAAGAAAATTTAAATCGAGACTCTTCATTTCTGTA
TAACCTCTTAGTGCAACGGGCTTTATAGTATAGACTGCCATATAAATATACATATCA
GCGCGCTCCCTCAATTTTCATTCGCTATCGAAACGTGAAAGAAAGCAGAGCTGCGTCCGG
TACTATGCGAATTGCAGATTACAAACATTTAAACCATAAATACGCGTTTTAAAGACAGCT
>EP77320 (+) Dm CID; range -499 to 100.

TAAAGCAGGCAATTGACAAGTTTAGATATTAACCAAGCGAATACACAAATGAAACA
TTGCATACGGTATGTTAAGTTGAGGACGTAGTTAAGCAACAACTGATTTATCTAATAA
ACTATGATATACATTTGAATTTGAATGGGCGGCTAAAAGGCCGATATCGATAGACGAC
CGATAGTAAAGACTTATAACGGGCTATTAACAGGAAATTGCAAATGTTGATGTTACATT
AACAGAGCAAATGATCGTGTCTATTGTTAGTCTATACAAAATTGTCATTAATTGAGTTGCT
TCAATATTGAAAATTTATTTTTTTAAGTTGCACAAACAATATCGCTAAGATATTAAATA
GCTGTGCGCAAAATGCAACTAACAGAGAACACCAAGACTGCTGTTAAATTGGGTTGAGTC
TGGGCTATGTGTTATCGCAATGGACATCGTTCTTTCTGGTATTTTATTGCAAGCGCAG
ATGGTTTATTTTGCAGTCACAATCGCGTCACACTGGTCATAGGCAATAAGAAAAA
CTCCACGGCAGGTCGTTCAATTAAGTTAATTTTCTAAGTAAACATACAAGTGCAGATA
>EP77321 (+) Dm ISWI; range -499 to 100.

CGGGTGGTAGTTTTCTATCTGCGCTGACCTTGCCACACCTAGCACCATTTTAAATGTT
CTTTTTCGGGGGTTTTCTGCGATATCTATTAATACTTTAATATGGGGGTTGTCTAA
GTAATTTAACAGATTTTGTCTTTGTTTCATATAGTTTGGGCGAGCCATTCAAGTCTAAAC
GATGTAGTACATATTGTCATATTTAGATTAGTTTCCACCACAGGGCTTATTTCTAAAT
ATTATGAGACCCATTAGACTTTTCGATTCTGCTATATTCCATCATCTCAAACTTAAAC
ATTAGGCAATAATTTTAAACAAACGCAACAATTTAAAAAGATAACCTATTTGATTAAT
CAGAATAACGGCTTTGTCTAAACTAATAAACGGCACACGGCCAGTGTGCCATTTCAT
AGTAATCCATCAAACTATCGATAGTTCGATTCTCGATTGTTTGCCGCCACCGTCGCT
GCCGCGCACTTCGCGCATTCATCGCATAATCTAGCGATAGCACGCGCAGATTTCCCA
CCATTCATTAATAAATCGCATGTAATTATTTACAATTTGTTTAAAGCGAAACAAACATT
>EP77322 (+) Dm VHA68-2; range -499 to 100.

AATTGCATTTTTTGACATTTAAATGGGAATCTAATTGATTGCCATTTTTATTGAGAGCA
CTTAACACTATACAATGGCAGGTTTTGTATTTAAGCTATATATTCCTCGTTTATACAGTG
TCAAATTAATTATTGATTTTATAAGCAGCTAAGAAAATGATTGTTTAAATTTGGACCGATT
GATCATCGAGGACTTAAATGGACTTAAATAATTGGATATTAGCAACTTTGAAAAGATC
CCGTTTACTCCCAAACTTCAGAATCAACCCACGAACCTTTAAGCCAGTGTGACCCCA
CCGCTCTTTAGCTCTCTTTCGCTCCATCTCGCTTCCGCACATCGATTGGCGAAAGCTTC
GCTCGCATCGATATCAGTCAACAATTCGCTTGAAGCTCGCCGCGGAAAGCTCGCGAT
CACACGGGTGAAATCGAAATCGAATCGCGGTAGAGAGCTTTTCAAGTGCAGCGTCGA
CGTTTTATTTCTGCGGCTCAGTCGGTTTTAGTTCTGTTTGGAGAAAAGCAGCAATCA
CACGTTTCGAAGGTGAACGCGAAGACACAGCAAAGTAAGCCCTTCCCCCACCACACA
>EP77323 (+) Dm TCP-1; range -499 to 100.

ATAAATAAAAGTTAAAAAATGTTTACTTTAACAATTTGTTGTAGATGTAAGAAATGCT
TCGATTTGGGCTGTATATCGTTGAGATCAAGAGGTAACTGAAAATATCTTACAGAGCAC
ACGATATGTAATGCGAAATCAAAGTCAATGCCTACTGAATACTTTTACTCCATCAGAAAAG
CACAATTTTATAATTAATAATTAATAATTAATAATCTTGAATTAATTTAAAAAAC
CGTTACCTGATGCTCAACCGGGTCCCTAAACAATCGGTTATCGATTACCATCGATACT
TTGAACGCCGCTTTGAATGTGCTGCAAAATATGCCTAATAATAAATAAGCCAATATATGT
TCTATATATTTTTGATGCTGCGCTAATGTAACACATAGTATAAACTTATAAATGTTATGG
AATCCTTGCTCTCAAGAAAAATCTTGCACTCGATAGTATCGAATCGACATCGGGTTTT
TGTTTCATCTCGAAGCTTAAAGTGAGTCAGGCGGTTTAAAGTGCAGTTTTTTCAGCGTATT
TGATTTATCTGTTTTTTATTAAGTTCGCGGAAGAACTTAGGAAAATGTCGACCTGGCC
>EP77324 (+) Dm CG6946; range -499 to 100.

CGAACTCCTCCGCCGATTCTCGGTTCCGTGCAGACAGCGCACGGCGCCACGCGCGACG

ATGTGCCGACGAGGCTGCTGCGGAGGGCGCTTGCCAGGTTACGGGCCGTGATGCTCAACA
TGCTGCCGTTAAAAACAGTAAATGCTTGTTAATTGCAAAAATTTGGTTAAGTAACAGCT
CGACTCACTTTTCTTGTCTTGTCTACTTTTACACGGGTATGACAGATCTGAGTGATGGT
TGGCAACACTGGCTTTTCCAGGGATGGACACGTTTATAACTGTCGCTGTCACGGAACAGT
GAGATATTTAAATGTTTCTGCTTCAGTATATTTCAAATTCGGGTAAGATCACAGTTAGT
TTATCATTTTCTTATATTTAATTTCTTCTATCTTGCCAAAAAAGCAAAAAAATC
AAAATCAAACCTTGTTTCTTTTCAACGGTCCACATTGATGCTGGCTACTGCCAGGCGGT
ATTTTTTGATGATTTAATTGCGGTACACTGCATCTTCAACTTGACGCGTGCTATTTGAT
TAATCTCTCTGAAAAATAAGTCAAATTAACGATAAAGTTTAAAAAAGGCGATATTGGA
>EP77325 (+) Dm DOA_1; range -499 to 100.

CCAGCTAGATGGACTCTTTCCAGAGCGACAAAACGCGGGAAGCAGAGTTCGGGGAAATG
AATCCGCGTACACGACCGTTGGGATAGGCACGTGAGTATTTGACTGAGCGTGGGCACACG
ATAACGATACCGTTATTTTCTCGCGTATTGTTATGCAATTGAATGAATCGGAACCCGT
ATTTTTATTGGCGCCAAAGCAGCGCAGGCGCAGTGCCGAACACGAGGCGCCAGCTGCT
TCTCGCGCAGTTACTCTTTTCAATTTAAAAAGTCAAATATACAACAATTAAGATGATT
TATTTGTTTTGGACAGTTTTGTAAACAGTCGTCCGAGGCTAGTTTTGAATTTGAATACTT
CCCGCTGAATTTTCAATATGTGGCAACTGCTTACTCTTACCAACACTGTGTACGACGA
CCCTTAACGGTTGCAATTACTCAACATCGATATCAACAAAACATCGATAAGAGTCGCCAA
TCACATGCTTCTCACATCACTAACAAGTGCAATTCAATTTAATCCGTTGCAATACCCG
CGTATTAATCATATTTGTTGGACTGCAGGCTGCTGAAAAGAGCTGCTAAAAAGAGCAGCC
>EP77326 (+) Dm DOA_2; range -499 to 100.

AGACGGCTGAAAAGCCCCAAACAAGATATGAAAATGCTCGGCAAAACAGATATCTCGAAA
ATACGGAACAAAGATATCCAACAAACTGCTACCCGTCTATGGGATTTGTGGACCCAT
ACAGACGCAGACTCGAGCGTGCAGGTCACAGCTGACTACGCAGCACGCCGCGTCGCAAG
GGCTGTGCACCTGCTAGCGGACGAAGAAGTAGAAACCAATTCTTGTTTTTACACCAATA
AACTATTTAGCCAGCGCTCAATACATACCAATACCTCATAAGAACGATTTTAGATCTTAT
ATAAAAGTAGAAAAGTTACTTTCCAATTCTTGCTTCCAGAAGCAAGGTTTTGTGGAATTT
TATCCCTTTTATTGGTTGTAGGCCATTATTATTGAGCTGTTTTAGTTTTTCTAAGTGTT
TTGTTTGGTACTGTTGTTGTGCACTCGGCAGCTCTTTCCGCCAGATTTTTCAACACTG
TTAGTTGGCGTGCACAACACTGTCTCCGAGACGTGGTGAATAAAATACCAAGTGACGTG
AATTGAAGGAAAAAAGACGATTTTCAACGTAAACGCACACTATTTTCGGTGTGTGTGA
>EP77327 (+) Dm (H3F3A); range -499 to 100.

CACACAGTACGAGCGCTTTATCCCGAGCGCATTCCCCTACTACACCAGCGCTTCTCA
ATGATGATCGGCGTGTTTGTCTTCTCATTCTGTTTCTTCACTTCAAGGATGAGCCCGTG
GGCAGGGCCGCCAAGGAGGACAAGAAGTCGAGTAGTATGCACGTTCTGTTCAACTCAAAT
GTAACACACAATGCACTAAAAATAAGTTCTCTGCAGAGAGAAACCCACAATCCATAAAAG
AACTTGGCTTTTTTTTTTGCTTAATGAAGCTTATATTTCAATTAAGCAGAGTCCAAC
CCATTAACATATTTATTTTAACTTAGGTTGGAGTTAAAAAATTTTAAAAAGTTAT
AAAAATGTAATTAGCAAAGAACGAACCAAACTATTTGGCGGGCATGGTCTTGTGAGACA
ATCGAGTGTAATCGAATACAATCGAAGTAGGCCTTCGCCTACTAGGCTACCATCTCTAGA
TCTCAACGAAACGAAATCATTGTGAAAATTTCTCTCGTCCGAATTTGTTGCTCTCGTGT
GAAAGTGACAAATTGTGAAGAATACTTTATTCGTTTAAACGGTGAGTTTTTTTTTAT
>EP77328 (+) Dm PFK; range -499 to 100.

GAGGATACATTTTCCGTTTTTTGAATATCAGAATAACGTATTATATAAACGATAACGAT
AACGGCAATCGCACCCACACACAACCGATGACTGCTCCCGAATTTCCCATTTCCAGCGG
TGAAAGCTCGCGAAAGCTTTTACTCGCCAGTGATAACCAGCTGATCAACAGCTGAACGA
TTGTGGGTGCAACATAAACAAATTGGTTAAACGCTATTTCCGCTCGTTGCTAGTCGCGA
AAAGTCCGTTTATAACAGACAGAATCTCAGATTTTCGACCTAAATCAAACCAAGTTAGG
GCAATCGCTTGAGCGGAATCTTGGGCGGATTTAGCCATCCGAAGTTTGATTGCATCA
GTACGCACTTACAGAAAGCCGTGGCTGTGTGCGTGTGTCGTTGTTGTGTATGCGT
CTCTGGCCTGAAGGTACCTTGAAACGTCAAAAGCAAAAGCGAAACTTGTGAATACCGCC
TGCGAGCGTACATATTGCTAGTAACTGAAAAGCCACGGCAAGGAGCAGTAGTAGTATTTA
TAGCCCACTTGGATATAACCCAGCTCCAGCGGCGTGTCTGCATAGTTGCAAAACAGGGA
>EP77329 (+) Dm CG18645; range -499 to 100.

ACATTTGGCTGGTGGAGACCAGCAGTAATCTTCCCAGACATCTTCAATACCAAAGGTCT
AGGAATTAATTTTTACAAAGCTAAACATGTGATCACGCATACTTACTTATTTACCAGCCA
AGTTGTTGATAAAAAGTACTGTTAATTTCAAACATCTAGGCTTATCTTATGTAAATAAT
GTTATTTCAAGTTCTCCATAAAAAATTAAGCTTAAATACGAATGTATATTTATTTTAG
AGTAAACGTGAGAAGTAGTATTATATTGTAATATATTAACAGATTTAAGAACATAA
TAATTGTGTTATTAGGTTGCACATTTTAATTTTCGGCTGTTAACAATACTTTTGCGTTAAC
AGCTGTAATGCTAGAACCACTTGTGCTGCGACCCAACTGTGACTGAAACAGTGACTGG
AAATAGTGGCATTCTGGTGGGAGCGAACGCGGTACACCTGCCCCACTAGTGCGCCAAT
ATTGCTCCAGTGCTTCGACGCGTAAGTATCCCAAGTTCTAGAGTGGCTCCATGCCAGATA
CCGCCACAGATTAGATAACGAATTGCATTGCAGCCGGCTCAGAGTTCTTCAATTGAAA
>EP77330 (+) Dm CG9326_1; range -499 to 100.

TCCCAGAGTTTTGTTAAGGCATAAATAAAGTTCATAAGCAATTTAAAGACTATTTAATT
AAATTGATTTCTAATTGGCATATGAACGAACATTTATTGGTCGTCCAGTTTAGAGTACAT
ATTTATGTACAAATCGAAGTAAATTTTTATAATATTAACGCACGGTTTATCAATGGCAC
AAACCATCAGCGATTCCCAAGCCATCCATTTTATGCTATGTTATAGCTATAGAAAAAGCA
ATCACAAGCAAAATTAAGATAATAACAATATTAATTTAAATGGCCTGAGAACAGTGG
AATGCATTTTTATGACAGGCTTTCGAACCTCCGTACATAAAGTACATTTACCGTACCGACC
CAACAAAGAAGTGGCGCCGATAAGCACAAATTTTAAAAACCGATAGGCACACGTTATTTG
ACTTTTTGTCTGCAAAAGCTTCTCGTTTTAAGGAGCTTTGATTTTGGCATCACCTGCAA
CAAAAGCGGTTTTAGTTAGCTCTTCTCACAAACAAGTCGGTTGTTTTTGC GC
TGTGGAGGAGTGAAATCTTAGCCGCGCTATTGTTTTGTTGTTTGC GTGGCGTTGTGT
>EP77331 (+) Dm CG9326_2; range -499 to 100.

AGATGCTGTTAAGATCACTGAAGTAGTTGGTAAAAACATTGCAAAGCATGTTATAGCCAA
ACTTACTTATTTAAGGTTCTGTTTTACTGAACAAAGTATAAAGCTAGTTAAATAAATATG
TTTCAGCAACATTTGAATTATAATTTGGAAAGCTAAGATCAGATTATTTAATTTTCACT
ATAACATTTAACAGAACATTTAATGTTGGTTATTGTTATATTTTAGATATACCCCAAGT
ATGTACATATTTGTATTTTAAAAAGTTTTCTACAGTTTCAAATGGTTTTTCAATTAACAGAA
AGAGAGGGCGCGTCACTGCTGTTTTAAGTCACTGTTAAGTACAAGCTAACATGTGGATA
ACAGACTCGGTACAGTTGTAACCTTGGCTCACGCGGAGCTTTTTTACGCGCAAGCCAGCGG
CAAGCGAACTGAGCAGCAAAACAAAGCTAGCCCTAACTTGCTCACTAGCTCTCGCCGCTTG
CTTCCATAGCTCGTGAGTCAGTTAGTTGCGAACAGTGCTAAGGTGAGGTTACATTCCGG
TTTGAAACGCGCGCTTCTGTTGGTTTCGGCCCATTCGAATGAGTGAGCATTGGTGCCTGAC
>EP77332 (+) Dm L(2)44DEA; range -499 to 100.

AATTTAGCCGTTGGAAAAATTAGGAAGTATTTCCCAAAATTGGGTCATCATTTTATAAA
GTATTTGGGCCATAAAGATTGCTTCAAATCAATGATATATTGCAAATACCTTGATTTT
TGACACGTTTTATGAAGTACTTGGCAAGCCAACTAGATTGGTTTTAGATGGCAGATAAGA
TGCCGGACGTATAAAGGGTCCAGACGAGTGCCAGACACACACTTAAGTTTCGGTTTA
TTACAATGGCAGAATTCTGTGCCGCGAAAGAGTGATGATTACTAGCGGTCCGGGCTTCGG
CGCGTTAGTTAGTGCTAAGCAATCTGTAGCTGATAAAAAAGCCGAACACCTTCAGAGCTCT
TCACCGGTTATCGGCCGTTTGAAGAGCGTTTTCTGAGCACCGAGAACCAGTGAGCGTG
AGAGTGTCTACCCCTTTTCCGCCGTGCGACTTTTAAGACCTGCTAACTAACAGTGGCAGC
AGCAGCAGGTGGTGATATCAGTTGGTTTTCGGCTTGCACGGCGCTACAACGAGTGGGTG
GGTGCAATGGGAGAATGGTTGCAGGAGTCAACCGGGCGAATACTTGACGAGGCGGGGAAA
>EP77333 (+) Dm CG11055; range -499 to 100.

TTTTGCATGTTCTCACCGTGCAGGCTGCAGTTGCTCCCGCGCAGTAGCCGCACTTG
CTCTGCTGGCTGCCATAGTAACTCACAATGCTCAAGCTCATTATTAAGCTCTTCCGACGG
CGTTTATAGTACAAACATATTGCATTTAATTACGACTAAAATATTAAAGCTGCAAGCCGC
TCTGTTGCGAAATTTTATATGCAAGCAGTGTGACCAGTGCTCGCGATTAAAAAATACTG
GCGCCATAAATGGTAATAGGCCATGTACACTGTAATTAGAAATTACATTCATATCTCATC
TAAGAGATAAAGTTCTAGCATATTTGGATTTATAAAGTTATTCTCTAATATATATTTAA
AATTATATTAATGTTATATTGAATTGAATCATTGTAAAAATATGTTTAAGCTTAAAAAA
TTATGGGAATGCCCTATTGTGCCTCAAAACGGTCACACTGGCCAAATCGGTTAAATCGG
TGCTAAGTCCTATAAGAATAGTAATGTTTGGAGCCGCAATAGGTGGACCAATTAAAAATG
CATTGAGCTAAAAGCAACGAGTTAAGAATCTGTAAGTAAATTTGTCAATAAAAGCCACTG
>EP77334 (+) Dm CG5325; range -499 to 100.

ATATAATTTTCTAAATCAAACTCGAAATTTTCATTGACAATAAATATATGTTATATGAA
TTAAATGGCTAGACATTTTCACACTTATGTGTAGTCCACAATAAATGCATTCCAGATT
ATTTCGAAATAGGTATTCTGAACCTGTTTTGAACCTTTATATAATAGTAACAAATAAGAAT
TCTTAATTTAAGGAATATATTTACTAAAAATTAACAAAAATATAGCTATTTTTCTTAAAA
AAAACATTAATGCAATTTAAAAAGTTTAAAGTAATATGAATTTTGTCTAAGCCCTAACCC
GAAATCGAAATCTTAAATTAACCAACAAATTATATAGAAAAGTTAATTTTTAAATTTT
TTTCTTATCATTTTCGCATCCTTTTAAAAAGCCGTTACGAATGCGGTGCGCACTAAGATGTG
AGTCAGTGTAGCCACACCTGTTTCACTGACTGCGGTATGCACCAGCAGCAGATGAACGGT
CCCACTGATTGATTCAGTCAGTCTTTATTTTTTACCATTTCACCCACCACGAAATCAA
GGAAAAGCATCCCGAAATGCAATGTCCGAAGAAAAGAAGATGGCGATGAATTAAC
>EP77335 (+) Dm RANBP9; range -499 to 100.

TGGCCAAGATCGATGATGATCAACTCAAGGAATTCGAATTCGTAAAGAGCCTGAACAAGG
ATGAGGCTCTGACGAGTTGCACGGCCGCGCCAGTTGCATTTTATTCTGCAGCATCACTTCG
ATGTTACAATGCCCAAGTCGTCAAAGAAGGCAAACTGGTGCCTAAAAATCGAGGAACCTAC
ATAAGTAATTAATAATTTCCATACTTTGAGTGATAAATCTGTACCAATCTAGCTTGATT
AACCATTGGTAACTTAGGATTAGAAAATAATGTTTTGTTGTCCGAATTGTTAATTAAT
ACATACCAACACATAATTACTTGTAAAAATAATATTAATAATGTTGTTTTAAAAAAATG
TATATTCCATTACACAATAACAGAAAAGAAAAAACGTAAAAATGTACTGAGCAGGCTT
AACATAGTAGTCAAGAATCCTTTTTAAAAATCGATTACTATCCAATCGTAAGTTTGTCA
CACTAGTTTCGCACGAAGCAGTCTTGCAAAACGCCGTTGACTACATGTGATAGCGCCGC
GCCGGCTTCTTTGTGCGAATTTGGGCATTACGAATTAATTTATTTTGAACCCACGGCCGA

>EP77336 (+) Dm GAD_1; range -499 to 100.

TTTCGATTGCTGTTTATCCGAACTTACCCGACAGAGCTCTTTACACAGCAAACCTCCAATC
CTGAACTGCGCTGATGGTTTGGACGCTCTTCAAGGATTTTGGCTGCTGAATGCGCTGCCGT
CGGAGCAGCATCCCCAAAGTGTCGTCCTCAGGACGGGCGATGACGTACAGCCTGCGC
CTGCGCAGCCAGGATGAGGATTGTGACCAATGGTATGACGAGCTGTAATCCACATCCCC
CATTTTTCTCTGCTGCTTTTCAACACGCTCTCCATCGCTGGGCTGAAAAGAGATGGGTA
GATTACGGAACCTGGGGGATGGGTTTTTACGCTGGTTTGGGGCGTATTATCTCCAGGGA
GGACTGGGCCAAATGGAGACTGTTTGGCCCCGTACAATAGGAGCAATTGTGCTCGAAAT
GCAATTATCGCGCTCTCAAAAATAGGCAGCAAAAAGCAGCGTTTGGGGTACTTGCCTGCG
GGGCCTAATCCTTACACCATTTGTTATCCCGAGCATTTGCTATCCGAATATCATTGCTTG
ATTTGCCAAACCGAAAGGGGTTATGCAATCGCCTGTCTTTCGAACGCAACTGAGACTCCC

>EP77337 (+) Dm GAD_2; range -499 to 100.

ATATATGCGGGAAATGAAAGTAATTATAGGGTTATTTTTTTTTGTTTCATTGACAGGAA
ACTCTCATAAAAAGTTGTGGGTCATTGTAAATGTCAGAAACAGTGGCAAAATTAGTTTGT
TAATTAGCTTTTCATTTGGTCGCCCCATACAATCTATATTTTCTTTCCCTTTATCCCG
TTTTATTATTTCTTAGCATTACAGGCGTGCACACATATTTCATGTGTATCTGTTGGA
TACTTTGGGGCGCGCATGGCGGAAGCTCCGCCCCACGCAAAATGGCCTTAACAAAGATGGT
TTCCGAAAAATCAATGACGTACCCGAGAAATTTCCCGCATTTTCTCAGCCCCACTGTT
GTTGTCGTTGTGCTGAAGGTTATGCAAGAGATTGAGGAGTAGTATGTATATACATAGGT
ACGCTTGTAGTGGTATATGGGCAGCCATTTTTTGGATGCGAAAAGCTTCGTAGGCAACTC
AGGCGGATGCTGCTGCTCATAGCTCCGAGATCGTCAGCGAGTGTAGGCTGCTCAGTTCC
CTAAGTTTCCCAAACCGAAAGTGAAAGTTGCCGAAACCTGTGAACCTGTGAAAATATAT

>EP77338 (+) Dm RHO-4; range -499 to 100.

GATTTTCTCAAATTAAGTGTCTTGACACTTGATACAATTACTAATTAATAGCATTTTAA
TTCGAATATAGTATAGTGATTGTTATTTATGTGGCATATACTTTGATTTTACAACATAG
TAGGAGTAAAAAAAAGGAGCGGATATCCTTAAAGAAACAGTTATATATGTGATTTATT
TTTTAAATAGGCTTACCTAGGATATATTATATAATATATTAATTAACAAAAACAAGTTGG
CATTTTAAATTAAGACACAAATTGATTGTTATAAAAGTATTAACAAAAAAAAGTAGTCA
AAAAAGAAAAAAGTTTCAAATAAATGACTTATTAAGTGACCAATAAATAATATTCATT
AACTTTTTTTTTCAAATTAAGTCCCTTTAGCGTTGCCAGATTGGGTTGCATGCGGGAT
TTGATTATTTTATGCACAAATCTGGGTAGAGAGCCACTTGTGCTGCTCCGGCAGCTGG
TCACACTGTACAGTCGCGCAGTTTGGTTCTTTGGTGCAGAGAAGACGGTTGGTGTGTTA
TTTTTTTTTTTTAGTTTCGCTCCGCTGTTTTAGGTGCTACGCGCTTTATGGCCCGCTCTTA

>EP77339 (+) Dm EG EG0007; range -499 to 100.

TCGTTCTGAAAGTTTGTGACAAAGCTCCACAAAGATTGGGCAACAAAAACGTGTCAAAA
AACCTGACACCAAGTCGCTCGTAAAAGTGACGAAATGGGGCTTAAGTGCCACCGCCAGTT
TCTCCGCCCATTTGTCGTTTGACCTTGCTGACACTCGAGAAGAAAAGAGCTGAATTCCTCG
CCGCCTAACGGTAGACACTCTCCATCTCTTTAGTCTCCACTGAAAACATATTTGGCCAA
TAACTGATATTAATATTCCTGTGCACTTATTACGTTATTTATGTAAATTAATTTCAATTT
AAAAGAGCTCAGATTTTCGGTTTTATAAATTGCTATTATCTATGCACTTTACTTCTTAAA
CTTCTACCATCTCCCTTGCTTGATTACTTTGCGTTGGCAACATGCTGCGTCGCATCGGCT
GGCAACATTTGGGGTTGCCAGATCTTGTGGCGCGGAATAGCTGTGGTATTTGCGGCGG
CAGCGCTAGCGGTGCTTTAGTTACGTTTCGACGGCCAACGCGTCGAGTGCTCTGCTTGC
TGAGAGAAAGAAAAACACAAATAGAGACAACAGAAAGTGGTTCTTCTTCTCATACTCGCA

>EP77340 (+) Dm EPS-15; range -499 to 100.

GCGTTTCCCCTGGGTTGCCTTCTTCTCGGCCGCGCACATCCGCTCCGGCACCGAGCTGAC
TTGGAACATAATTACGAGGTGGGCGTGGTGCCCGCAAGGTGTTGTACTGCCAGTGCGG
GGCCCCCAATTGCCGCCTTCGTCTGCTCTAAGTTCTAGCTTAAGTTAGAGATCCATACAG
GAAATATACTCATTAAAGAAGAATTAGAATTAATAATTTAAACTTTAAACATTATCTGTT
CCGTTAGGGTAACGGAAACATTGCAATTTTATAAGCTACTGCTGTTCTGCACCGTCCGTT
TCAAAGTACACAATTTTCTTACGTTTAGTGTTAAAGGAATAAATATAGACAAATGAATT
TTAAAAAATTATACTTTAAAAAATAATAATGTTGTTAATTTAACGGTATTAATTTATG
TGGTATTTTAAACGCATTTTACCTAGTGGTATACTTAATCATCAGCCGTACGGTATTTTAA
ATCGTTATCCGAACGGTCACACTATCCACCGAGCAAAAAAGCAATTTAGGCTTTTTTAAA
ATTCGAGAGTAGCTAAATTAGGGGCCGCAATGCGCCAAGCTCACCTGTAAGTGGCTCCAG

>EP77341 (+) Dm SYD; range -499 to 100.

GGTCTGGGAAATTTTAGCCGCCAGTCTGTGTTTTTAAAAAATGTTGGGTTGTACAACCTG
AACTAACAGTATCACAGAATAACAGTGAACGTACGAGCAACCGAAACAGTGTAATCAGT
GTAACCGCAGCTTAGCTCAAGAAAAATACTATAAGCATTTAAATATGAAATCTTGCCGAT
TTAAATGAATTCAAAATGTTAATTATATTTGATTGAATTATTATTTGCCTATCAAACATT
TAATAATTCTATAATAATATCTTAAGCAAAATCATGTAACAAACAGTAACATAAGAATAA
AACCAAAAAAATTCAAGATGTTAAAGTAACATTTTAAATCGCGAAATTGTAACAGAAATA
TATAAATTTTAAATGAGTACGCGTTTCGGAGTGTCTATTTAAGTCATCACCCAGCTAAGC
ATAAGAATTGGTATTTTTTAGGAAATGCACAGCTTGGATAATTGAGTCGTTTCTGCATCT
GGTAACATTGGCCAAGTCATTGAAAAAATTTACGGAGCGAAGAAGGCACGGTTACGTC

CGGATTTTAGCGCGATTTCTGTCTGTTGTTGGTCGGCACTCGAGTGTAAAGAAATTTG
>EP77342 (+) Dm CG31204; range -499 to 100.

CGATTATCAACAGGTACTAGCAAGTCTTTACATAAAACAAATTCTAAATATATACTTTA
AACAGGAATTGAACAGTATAATATATATTTAATATACCACAGATTTGCACACATAAATTG
TAGCGGGCAGTTTTTAATAGCCTTTTTTATGAGTTGCCAAAATCGCCTCATGCGTTTCAA
TTTAAATTTGTGTTTTACGCCGTTGCTTTTCCATTTTATTAACACCTTTTTAATTTGGC
TGGCATTCTTAATTCCTATGATTCGTTTTCGCGGATTTGTTCAACACAAACACAAGTGT
GCTCGTTCTGAGCAAGCATTTTCTATCTGCATCTGCTTAAATTGTATGATATTTGCCTAA
CGCCGAGCACTAAGTACTTAAGAGGTGATTAGCTCTGCTACCTTAAGAGATCCGAACGCT
TTCCCGCCAACCTAATAGGCTTTCACTAACAAAGTTCCGCCGAGAAGCAGAACCGTACGCA
AACAGCGGCTAAGGCAGACTGGCAACCACCGGCGATTCCATTCCGCTCCGAGGCATCTTC
GCTCCGGAATCTCAGCCAGAGGTTAGTCGTGTTCCGGACTGGTCGGTTGTGTGGAATCC
>EP77343 (+) Dm CG30357; range -499 to 100.

CCGTTTCGCTGTCAATTTTATCTCTGTTTTGCTGCAGTTGGCTCTCCAAATCTTTAGTTA
TGGTCACCCTACGATAGCAAGCATGTATTTGATTGCATCGCTGCTATCGATGTTTGCG
GATTGGCGCTTTAGCGTTTCGACCGGTACACTTACCGTACTTTTTAAAAATTAATATTTA
CTTTACGATCGGGAAGCACAAACCTATCTTGAGTTGCTCTTTTGAAGTAAATTTTAAAA
ATAATATTAACCTTCAATAATAGTAATAAAAAACATATCAATTTACATTTGGGGACACAAAA
TACATAAACTATGAATATTTAGAAATAAATGAGCTTACATCTCTTCGTTTTGTTGTTTAT
TTATATGACATCTAATTCAAAAATTATTGTATAATATCATGATATTTGCGAATAATGACT
CGTATAAACGTTACCGTTCTGCAAAACGCATAATGTCAGTGTGACCGTGTGCGCGGCAT
TTTACCCTTTTACAGAGATTAGTGCTCACGGGTTTTCTGCTGCGCAGCAGTTAAATAAAA
TTGAATACATCAAGAGCTGCAGATATAAATCGGAGTTGAAAACCAAGTGAAGTTGCATTG
>EP77344 (+) Dm PHM; range -499 to 100.

TTTCCCCGCGCGGAAGATACGGGAAAAACAGAGCCTATATCGAGGACTTTTCTAATCTG
ATTGGAATTGTATGCGCACAGCTGCAGCTGGGCGAATCTGTTTCATCCATATGGAGCGAAC
TCCATGATGTATATGTATGGCGTTTTTCAGGAACCTGGACTTACGGTCTGGGGCGAAACG
TTGGGCATCAGGAATGGAACGAAGCCGTTGCGCCTGTTGCGGAGTTCGACTCGAGATTC
TGTTGATAAAGGGAGTTTTGGTAATCCCCCTCTTTCACAAGGCCATCCCACTGATCACT
CCGATAAGCAGGAGCAGCCCCACGGAAGCGGCTATTTTCGATATGCGTGGCATTTCACC
GTATTCGAACTATATTCGAGTGTGCACTGCACTGAATACTTTGTGGAAACGAAAAAAA
CCTTCCTGTTTGAAGAACAATACGTTTTGTATTGCTCTCTCCGATATTTTCCACACGT
AGCTAGGCCAGTTTATATGTAAGTACGCTTCTAGGCAGCAATCGATACCCAGAGCC
ATTATATCGATGACGGCGCCAGGGCTGCAGGCTAAGGGTTAGCGGGACATTCAAATATAT
>EP77345 (+) Dm TSP66E; range -499 to 100.

CCATGTAACCTATTATCTGACCAACTCGACTAGGAAATGGGTACGGGAATAGTCATTTT
CAAAATCGCCTCGAAATTTGAATGGAAAGCAAGTGCAACGGCTTTTCAGTGTTCGAATG
AGCAAAGGCTCATGGCTTGGTTTCGTTTCAGTTCCAGATAAATTCTTTCTAAGGTATACAAT
ATTAGGTAAACAGCATTATAAAATATAAATACTTTTTATTAAGATATATTTAAAATATTA
TATTTTCATGTATAAAATATGCAAAACCACTTGTTTTATACCGTTATTCTTTTAAGTTTCT
ATTTTGTTAGTCGTGTAAATTTCTATATCCACCAACTATATCCACCTATCTGGCAGCACT
GTAAAGCTCCCAGTTAGACTTTTGATGTTGGATGTTTGCTGGGGAGCCGAGCTTTCAGCT
GGAGCAACCTGCTTCCCGCGCACGTATTGGTGGGGTTGCTGTGGCAGCAACGAGCAGCTC
AGAAGCAAAAAACGACTTCAGTTTCGAAAGCACGCTTCCAAGCAGACGGTCGCACATTCGG
ATTGGCAGCCGAGTGAGTGACGAGTGAGATTTAAGCCACGATTCGAGTCGAGTTGAGTCG
>EP77346 (+) Dm MAPK-AK2; range -499 to 100.

ATGCGGACACGAGGCTCAGCGGACGCGCGCATCGTCAGTTTGGCCGTGGCAACAACATT
TTAACCCTTTTTGAGTACCCACACCCCACTCCACTTTGTAGACAGTCGGTAGTAGTGA
TGGGCGAACGGCGATAAGCAGCTCGACAAAATATTCGATAGTCAAACAATTTTATTTTAT
GTTTTGTTTTATGTTTACATTAAGTAACGTCATTTCAGTGACCGATTTTAACGTAAGCATTTT
AGACATAACTGTTCCGCAAGTAAAACCTCATTTTTTTATTTTTTAACAAGAATCAATTAA
TACGAAATCTAATTGGAACCGTAGTTTCAGTTAGATCTAATACAAAAACGTACCGTTAT
CCTGTATTGATCAATTTAATCGATTTTTCAGTTTTCGAACAAGCCGATAACCCGCAATC
GATTAAGTACGATACCTGTACTGGTACATTGCACTGTATTTACAGCTTTTTCCATTTCAGT
GTCGCTGGTCACACCGCGAAGCATTTACAAATAAATCCCTGGTCGTGTTGTTCTTTTT
TTTCGTTCCGTTACATAGCACGCTAAAGTAAATATCCGAAAGGTAAATACGATCAGCTGA
>EP77347 (+) Dm RAS; range -499 to 100.

CAGTCGATTTAGTCTTGCCGCGCGATGGGAAAGTTCCCTAAATAATGCCATCGAGTACG
GTACCGGTATTTGGTGTATTACGAATTCGGTGTGCGCCACACAGATGCGATATTTATCG
ATAGTCTCGGTGAGCTGTGCACGAAGCCAGCCATGAAACAGTTAACTGTGACACTACTAT
CGTTACTATCGATAGCTGGCATTGTAAGCAATAGTATCGCAGTGCAGCAATAGCTTTAAG
CGGAAAGAAGCTAATTCGCTGCCATATTTTAAAGATTAAATAAAGAGGAAATGGATATTG
CTCGAGATTACGGCTATTACGGCTAATATGTAATGATTATTGTTTAAATATGCTTAATAAA
TTGCATAGTCGATATTGAAAGCGCTTAGTGTGGCTGCCATGGAAAGCGCGATTAAGGCC
AAAGCGTATCGTGGTAATATTTAGTGGGTTTCCCGGTGGTCCAGCGAGTATATTTAAGCG

GCCGCACGGCGGCCACACCACTTTCACGAACTCGATTGCGCAGCACACGCGGCACTTGGAC
CTCCAGCGGACTGGTAAGATGCCCCAACCATGTGCTCGCTGGCTTGCCAGCCAATCGGGC
>EP77348 (+) Dm SEMA-2A; range -499 to 100.

TTTGCCGCTTCCGCACGGTGAAGTACGAAAATTGAATACCGCCATTCTGCAACGGCATT
TGTGGCAAGGAGCAAGGATTATATCGACAAATGAAAATCCACGACGCTCCACGAATATTA
AACAAAGTTTGTGTCAACAGTTTTTACCTTTTCTTAAGAATAATTTAAGAAATAGTTAA
AATCGGCTTGAATACGTCAAAGAAAATATTATATTATATTAATACTTAAAAAGCAA
GCGCATTGTAACAGACAAAAATAAGAAAGCATATTTCAAAGTTAGCCAAAATAAAATCT
AAAACTTCTGATATAAAGAGAAAAAGTTATGCAAATTATATATATTTTAAATATTATTTT
CAAACACGATACCACTTGTGGTATATACCAAAAACCAACGCGTACTGCGATAGTCA
TTCGACTTAAACGCGCTAGCGTTTTTCTCACATCTGCGCGATCGGAGCGATCGTGCCTTG
TTGTTGTTTTCTCACTTCTACTTGTGTGCGTTGTTCTTTTGTGTTTGGTGTTCGCTC
GAGATTCTTGGGCATTTTACCAGTGTTCCTTTCTGGCGGAACTTGTTCGCATCGGTA
>EP77349 (+) Dm RN-TRE; range -499 to 100.

GCGCTAGTGGTGAACGATGGCTGGGAAAACATCGATAACGCTATCGATCAAGCGATTAC
TTATCCTTCTGTTGCTGACGATGTTTTCCAGTTGAATGTATGGCAGCACTGCTTATTTAG
TCACAAAAATTATATTTGAATTAAGAAAGCCGATTTTGTATCAAGAAATAAATTTTGAAG
TGAAAATGTTTTCCACAAATGTTTTAATTCATTAAGTGCCACTTGTGCAATTAAGTAAC
TGAATAGTTTTAAATAATAAGTAAATAAATATCATTGTTAAATATTTATAAATGAGCAT
TCATTTGCAGCTTTAAATAGATAAACATTTTACATATTTGTACATTGACATCACAAACAT
TTCAACTAAAATTTAAACTCGTATAACATTACGCTAAAGTATCGCTTAAATATTGGCTCG
CATCCCTGGTACTCTTGTTACGTTACGTTATTCGGCAATTACATCAGTCTGGCAACTCTG
GCCCTCACACACACTCAGTCGCCCCCAATGTATCGGAAACATGCAGCCGAGATAAAAT
AGTGAAAAACTAGTTACCAACATAACCGATCAGTGCAGGATAATAAGAATTGGCAATTCA
>EP77350 (+) Dm SP1029; range -499 to 100.

CCAAAAGTAGGGGGTGTTCAGGTTGAGTGACTGGGTGAACTCTAGGGTCGAGTGGCTCA
AGTGCCCACTGGCATACGAAATAGAAAGAAATGGGTTAATCAGCGCAATTAGGGTCAAAA
ACACGTAGTGACATCGCTGCGTATGTGTGACGCGTGAATCAAAATTGCGCATACGCCGGG
TAAGCCCTGCCATTATTTTATTGCAATCGCCCGCTGTGCGTTTTCTGTGGGTACACATG
TGCTGTTTTTTTCTTCTTTTTTATTGTTTTTTTACCTCTTTGCTTGGCTGTTCAACT
ACATTGCATGCTCTACGATAGAACTAGCATACTGAATCTGCGATTCTCTGCGCCGACGCA
AAGCAGCGTTTCAATCTCTAAGCCGTCGACGTTTCACTGGCTCTCCATTTCTCGGCTTTC
GGCTTTTCCATCTGTATGGGTGAGCGGTGAACACGGGCTATCGTATAAGATAAAAGCG
CCGTGCTCGATAAACTTTAGATTTCGCGTCGACCGTCGAACAGGTGCGACTCTGCGTGTG
TTTTTTTCTGTTTTCTGTGGCTGTGACTGAGGCTCTGGCAACGTTGGTCCCAACAATCT
>EP77351 (+) Dm CG11763; range -499 to 100.

AATCTGGTTTCAATGTAAACGCGTATGTTTGACATTCTGCATCTTTTATACCATAGGC
AGAAGTTTCTAAGTAATAATTGCCCTTAATATTCTTATCGGTATGGCGTAAAGTATGCGC
TAAAAATAGATAATATGATCTTTTTTTATAATTTAAACCAATATTTAAAAGATTAAATTA
GCATTAATAAACATAACGAATTACGTAAGGTTTAATTTTACCCAAAAAATAAGATTGCTA
GCAATAGTGCAATAATACCTCCAAAAGTATTGTCAAGGGTTTTACCTAAAAACATTTTA
AGATTTTAAATGGCACTTTGGGAAGTGTGTTACTGCTTATCAAATTTTGAATTTAGGCGCC
TAAAGAGATTTATTCGATAAGAATAATCGATAGCTGCCGAGCGCACTCTGATGTTGTGAG
GTGTGCGGAATAGATATCGATATCATCGAATGAACATCGGCTTTTGTTCAGCTCTATAGC
ATAAAGTCAAACTTCGTAGATTTAACAACATCATAGCAATCGTTTGAAGGTAAATATAAG
GAAATATCAACTGTAGATCCGATCAACAGCATAGAATGACAGCCAAATCGAATTCATCAG
>EP77352 (+) Dm FIM_1; range -499 to 100.

GCGGAAAAATACTAAACGTTTATGTTTGTAAACATTGTAATATGATGTGCGTCAAAGAAA
GAGATAAAGAAATATCTTTTTTCAATTACCTCCTAATAAAGAAAAATAACTGAATAAAA
AACGTCCCCATAATTCAAATTCACGTTTCTCAATTGCTGCTAATACTCAACAACGGAAAT
TCTACGCACATGTAAAATGTAAAAAAAATAAATTTGCGCACATAACTTAGCATAAGCAGC
TTTAAGCTTTTTTTAAATCTCTTCCAAGCTTAAATTAACATATTTAAACTTGAAGAAA
AACAAATGTGCTGTCTATTATGACATTAAGAGGTATTTCAATTCTATCGAAAAATTAAGTT
CAAATGGAATACTGTGCTCAGTTTTTGAAATATCGCGGTAAAGTACCACCGTATTTTTGTA
GGTTTTTCAAATTCAAAACGGGCACACTGTTTTGCTCCGTTGTCTTCTTTCAATTTCTC
ACAATACAACCTGCAATTTAGTTTTCTGTTTGTGTTAAACATCTAACAAAAGCGCTTCG
CACGCACAGCAAACCGGTGATTCCGAATTCAGACGTGCTAAATAACGTTTGAAAACAAA
>EP77353 (+) Dm FIM_2; range -499 to 100.

AACAAATAAGAGATTACGAAATAAATATTTTAAATTATGCTGCGATATGTTGCTGTTTGT
ATGTTATAATCACCCCGCATTTTATGGCGACTTGGCAACCCTGCTGTATTGTTGCACCTG
GGAGAGAGCAAAAGAGAATGGCTAATATCATTGAAAGAAATAAAGTAAGGAGGGAACCTGG
ATCTTGTCCCTTCCAGGAGAAAAATAAATATATACCTAACAAATGTTTCTTTATAGATGA
TTTCTGCACATTTACTGAACCTTTTACTTTGCGGTTTTTGAACTAAGTAACTTTTATC
ATAGTTTTTTTTTAGCGATACAGGATGACGCGTTTTCTAAAGGTGTTGCTCTGCCTCTCT
TTGCACGGCTTCTCCCTCTTTTACTCTCTCATTTACTGATAAGGCTCCGTTTCGATTGGA

GTGCTGTTTTTGCCTCTGTTTTTTGTGATAAAAGAAAAGGCATAAATAGTCCGTTCCA
CTGAACCACTCAATTAGTACTCAACAATAGCCGTGGAAAGCGAATCAGCCAAAAAAGAA
AGAAGAACGAAGAACGAGGAAGAAAGCAAGGAGTAGTTACAAGAAATATTTAATTAAAGC
>EP77354 (+) Dm PAK; range -499 to 100.

TGAGGCAGCTGTGCCTGAGGCGCTTCGACTGCGCGCTTTCTGTATGTTTCGAGCGTGG
TCAGGGACATCTTAAAAACACTTTAGGCTCATATCTATCTTCATCTTTCAAATTAAGA
AAAACCTAGTCTTAAAGAGGGTACTAGATAATGGCTGTTTTCTGTTCCGAGTTCAAAC
ATCTAAAGTAACTTCGCTATCTGAAGTTTCAACCCATATCTAAAAATGCATTCATTTCTG
TCAACAATCGTTTCATGGAGGCATTTAGACACGCCCCAACTTTATTGGCACTATGCAATT
TGTTGGAAATAAAAAATATTTGGAACAAAGAGATTATTATGAACTCAAAATTTGATGTGGT
ATTTTTTGAAAAACACTTTTTTCAAAGGTCGCCAATCACAATACAAAAAATCATCGATAT
GTTGTGAAAAGTCACGGAGCGAATATATTCGTTTTCTGTTTCGCTATCGATATATTGATATA
TTTTTGCCATCGCTACATTGTCTGCTGCGGCCGTCTTGTCTGTTCTGTAATTATTTTT
CGTAGTTAAACAAACCCCTGAATAATGTAAACCAATTAGTGGGTGATGCAAGGACCGAAAA
>EP77355 (+) Dm CG11594; range -499 to 100.

AATTAAGTTGTTTTAAAAATTAAATGCTCTTCAGCTTTTTAAGATGCAGCAGAACTATTGT
GCTAAAGAAAAATAACAAGCACAAATCACAATTACGGTAAATGCAAAAAATATAAACAAA
AACGTGCCTGAAAGATACGGGGTTACTGCGATCGTGGTTTAAATAAAATCAAAAGATACA
AAACCATAGCGATACAATACAGATGCAGATACATGTGCGTCTGTGGAGTTTGAAAAATCA
AAAATTATACAAAAATAAACCATTAATTGATATAAAAAAAGCTTATCATCATTTTTCTAT
ATTTATTGCCTCTGACAATTGTGCGATAACAATTAAGAATATAAATATCTCACTTCTTCTG
TGGCAATTAAGATATTTCAACTGTAACCAATTATAAGTAATCAAAATGAGATCTTTA
GAAACCGGTACTTGGGTAAATTTACACAGTTTCTAGCTGTACAGGGTCTCTAGGCGTTCTG
CATATCAGGTTGCTTATCAGTTCGCGTCCGACGCTCGACGACTTCGCTTCGCTTTTGGTC
TGGGATTGGGTTTGGGTTTTGCGATCGAGCCAATAACATTTATTTGACCGCCAAGGTGAT
>EP77356 (+) Dm CG8352; range -499 to 100.

TTCTAAAACCAAGTAAACACGACAAGCTAAGACATGCACCTTTAACGAGGGCACCATCCA
CATTTATCGAGTTCAGGAACCAAAAGGAAAAGAGTATTCGCTAGATACGGATAAAAAATTG
TGTATTTTTATCGAATAAACGTGTGTAGAAATCGAAATGGCAACTTCAGCATATGACCCC
AAAATTCGTTATTTTCAAAAAGCTTTGCTTCTCATTGACTATTATAATTATATGAAGAG
TAGTAAAAATTCATCCGATGGACAAGCACAAATTACATTTATTTTACTGTGCCGCTTTGCC
ATATTACAAAATATAAATAAATAGACAACAATTTAAAAACAATTTATTTCTGTACAAG
CATATTTAATTTTTTAAATATTTTTTTTTGGCGCCACGTTATTCAGTGAAAACAGTGACAT
AACAGCATGGTAATCGATTGTGTGGGTGCGCACCGATTAGTATCGATTAGGCATAGCTT
TTCGTTTGCAGCTTCGTTAGTTTCTGTAGTTCTGTTCTGTTCTGTTGTTGGGAGTTG
ATGTTTTCTTATTTTATTGACAACCTTTGAATATTAACATTCAAATACGCGCAATTTCCGT
>EP77357 (+) Dm MTCH; range -499 to 100.

TGTGTATTTCTGTTTGTGGGTGAAAAACCTGCAACGCCAGCTCCAAACAGCCTTGTATGG
ACTTTGTGTCCAGGCGGGACTGCTCCAGCTTGTTACCCTCTTTTGAATACCACTGTAGG
GGTGGTAAGTCTTGCTTCAACAATTAATTTCCACAATTCGACGCACCTACCGAAAAGTCG
TGCCGATGTAAGAAATGTTCAACAAATACCTATACATGTTATAGAGCACGACCCACAACC
ACCATCCATATCGCTAGAGATGGGCTTGGGCAGCTGGTTGATCTACACTCCTAGAGGTGG
GATTGTAAATTATGTGTTGAATAATCAAAAAAGCAACATTTAAATAATTAAAAAAGCTG
TATATCAAGAAAGCAACTATTTTTATGCAACTCCCTGCAAAAAACACTTTCTACGGCCAA
GCTCTTTTTGGGCCAGAGAATGAGAAGATATCGATTAATCGATGACGAATCGGTTACCGG
CATTAGGCAACAACAAAGTACCCGGCCACATTGCTGTGAGAAGTATATTGTTTTGTAATA
AAAAAATATAATTTTGAACCTTGCCAAAGCCTTGCAACCCTGTAAGAGACGGCCAACGGT
>EP77358 (+) Dm FAS1; range -499 to 100.

TGCTTGTTAAAAATCAATGTTATCTCTTAGAAAAAGTAAAAAATAAGTGCTTGAAAAAT
ATAACCGGTTCAATTTGGAATAAAAATCTTTCAAACAGTAGAGACTCTGCTTAGCGGAGTT
ATCCACCGCATTCTGTCTGTTGCCACATTTTGCGAACGGTTAAATGATTATTTATGCTT
TTAAACGAAAAATGAGAAAAATTTAAAGCAGTCTTCTTGTAAATAATAAAGATTGGATAA
ACAGACATTATTATAAATCTGACACAGAAGAGCAACGCAGCGCTCGATTTGTAATAAT
TTTACCTCTAACAAGATTCGGAAGAGCATAAAAAAGCACATAAATAAGAGTCACCGCCAAA
GACATGCACAAATAAATAAATGTTAAGCGATTTATTAACAGTGCACAGTGTGCGATT
TGAAACATCGACAGCTATCGATAACACTCGTTATCGTCACCACACGCTCGGCTTAAACCT
GTTCTCCGCTTTTCTGTTTTAATTCGAAAAAACGTTTCGAGCGTGGCGCACGTTGCGATT
CTCCGACTGGTACTTGCTCCCTTATATTGAAACTCTGTGAAAAATCTATACTGTGCATA
>EP77359 (+) Dm CG5484; range -499 to 100.

TATTCAACTCGTTTTGTTTATAGCCCTTTTCACTTAAACGCATAGTTTAATAAAAAAAT
CCACTCTCCAAAATCTATGAAAAATTTTATCTTTAAAAATACAATCAATTTAAATTTTCA
TCTACATATGTTCTTTTATATAATGGCTGACTTGATGATATTTCTGTTACCACCAATGCA
AGAAATCAGTTATTTGAGTACTGAGACATCCATTGGCACATAAATCCATATATCGCAATA
AGATGAACAATAGGAAATGTCTTAAAGAAAGTTTAGTGATAAATAAAATAGTGATATAA
ATTTACATATAAGTAACTTACGGAGTAAACGTTATAAAAAATAGAGAAATGTACAAATAT

ACAAAATATAATACAAAAAACAAGATATCTATAATTTTTTTTTGTAACCTT
TTAGTATTTTATCTATCGGAGTGCAACATTCTGGTAGGCGGTCATGCTTTGGTATTTGG
CAACACTAACTCCGGTCACACAACAAATGCTTATGGTGATGTGTTAAAAAGCGAAATT
TTGAATACAATTTACTGATCCAGAAAGATGAACACAATCCAAATCCGGGTATGCGGAAC
>EP77360 (+) Dm YIN; range -499 to 100.

AACTTGACTGCCGAGCTTTGCGGAAAGAGAGGGCGGTGGGAACACCCCCACAGTAATA
ATAAGAGATCGCGCTGCAGTGCAATGATCTCTGCAGAGCGAGCTACACGGAAAGAAAT
ATGTGGCTAACTTCTGTTGGCATTATACCTTCGCTTTTTATTTAACTGTTTGATGCTGTC
GCTCTGGCTAAATAGGTTACATATTGAATGTTATGTTTTGTAGATTACACACGCTTTTT
TTTTAGTGTAGAGAGAACAGCTTGAAGCGAGAGCAGAGTTTATCTTGCTCTCGCTCTCGT
ACAGCCTCTCTCCACCACGCCCCCCCCCTACCAACCACCCCATCCACCTGTTTATCTA
AAAATTTAATTTGATTTTTGTCTTGCTCGAATTGTGTATTATTTCTTTTTTTGGTTTT
CGGTGTCGCGACTGCGCTGCCGACGTAGCCGCCGACTGAGAGTCAAGCTTAAAGCGCAG
CTTGCAAATGGACGGAGCATCATTTATTGTGCGCCAGCGACGGCGATCGTTTTATGGCGT
CAACCTGTTGATCACCTCCCCACAACCCCTTTCATCAGTGTCTTTTTTATTGTAGTCC
>EP77361 (+) Dm DOCK; range -499 to 100.

GTCTCTCCGTCATCTCTATTACGGCTAGACCGTGAACCCGTAGCCGCGGCCACATCC
GTGATTTTCGTTGTTGTTGGAGAATGCAAGCGGGTGGGATGGTGCACCATCTCCGTGTAG
CGTTCCTTGCCCTTCTTCACGTTGGTCTGGAGACCGAGAGCGCCGGTTTCCTGAAAGCCC
CACACGTAACTCGGTGCTCATGGCTGTCCGTCGCTTCGGTGAGTACTCCTTGATCTTC
GACTTGTCTGCGCCAGCACACCCCTCTTCGCTTGCGGTGTACGACCTGCTGATGCCA
AGCACAATACCCCGAGTTTTTCAGCATGGTATTTTCGGGTTAAACCAACCATGTAATCCAAA
ATCATAACAAAAACGCCACCCGATATCGATAGACCCGATGACCGGACAAGTGTGCACAG
CGCGCAACGTGCTTATCGATAGTTTCGCTAAGAAAAACCGCTGATACGCCACCTGACAGCC
CTGGTCGTGGTCAATCGCTATCGCTTCCGCACATCGAAATCGGATGGGCGACGTGAAAG
AAACGGCTCCGCAAAATCATTAAATTTAATTAGTTAACCGCAAGAGAGCGCTGCAAAA
>EP77362 (+) Dm SLOB; range -499 to 100.

TGTTAGCCCATGTCAAGAAAAACAACTGGCATGCCAAGTTCAAATGGGATTTCGATGGT
GGGTAATTCGGTTGCTCCATTGGCCAAGGGAGAGCTGATGGGAATGGAATGAACAGACGA
GGCGCATTTCTTTCGAATGCCAAGCGACGGTGCTCGCCATGAGTCAGTTGGAAAATTGTC
ATAAAAAATAAAAATCAATTTTTATAATCCAGTTAGAAGGGAAAAACACAGTCGAAAG
CGAGACAGACAGACAGTCGGTCGATTGGCAGGGGAGCGAGTGAGAGGGCTAGTCGTCGGA
CCGACAAGTCAACCCGAAATACAACCAACGTAAGCGATATGGACACGCAACACACTC
TAAGCACTCACCCACAATCGGCGTTAGTACCTATACCATTACCAACGTATATACAAAG
AACACACCTCAGTTCGACTGGAATGAAGAAAATTCATAGTTTTTCGCCCCAGGCGAAACGA
TACTCGAATCGCACCTTCATTAACGACGACCCGAGCACCGTGCTGGCCACGTTTCTATG
GCTTAAATATTCACCAAGTTCGCTAAATTTTCGGCGCGTCAGCGAGTGAACACTTTGT
>EP77363 (+) Dm CG7971; range -499 to 100.

TCTTCACATTAAGGGATCCTTGATGGCCAGCTCCTCTTCTGGCGGATCTTCTTGCCCA
GCGCCAGTCCCACAAGGCTGACGCCATTGGGTGCTGCCTGAGGCGCTGGCGTTCTTTAA
TCTCATCTAGCGTTAATCTGTATAGAAATGAACACTTTAGTTTAATTCATTTCTAATTGT
TGACGGCTTACTGTTCTCTCTTTCTTCTCGTCTGAATTCTTGCGTTGCCTTAGGTTTT
TTCGACCGGCTTTTTTGAACAACACTTTGGTGGTGGCTTCTGCTTTTTGTTTCTCTGCAT
CGCTCATGATTTTAGACTAATAAATCTATATTTCTTAAGATAAAATAAGTGTAATATT
GTTGTTTACGTTTAGCTATTAGTGTGCCCGTTTCGCCGATTTTCACTTCACTGATAACAT
CCACTTCGTTGCTTTGAACAGGATCCACTCATGTAGCTTCATTGTGGAATTGACAGCTA
GGGAGCATTTAGGCGACATTTGTCATCTGGTCACACTGAGGGCGGCATATTGTGCATAT
CTAGTCGAATATTTTGACAAAAAGGAATAAACTACTGAAAAGTTAGGCAGCCTAGTAAAG
>EP77364 (+) Dm G-SA60A; range -499 to 100.

ATTCGTTTTTGAAAAAGACAATGATTTTATCTTTAATAAACACTACAATTAAGAGAT
GACAAGATTCAAGTTGGGAGTTATGGAAATTATTAATGGGTGAATAGGTTTGGCATGCAA
ATAGCATGATTACTCGTTGCAGATATGGATACGAATAATAAATACTAAAAGTTTACAAAA
TAAATAAAATTTGCAAATTATACAGATAAAGATACTTTTTTTTTTGATACCTTATCAT
AACAACTTCAAACATGTTTTCTACACGCCCGTGTAGAATATCTATGTAAGCCTGTAGAGA
CGGCTGCTTATGTAAAGTATCGGACGGGTGTTTCTGGATTTGCTATTCTACATAGCTCG
GGATACTTTATTTTATTATTAATATTTCGCTAAAATAGCACATCGTCATTTGGCATAGATG
TTTTTTGGCCAGTAACATATCTATCTACATCACCGCCCGCACTATCCGATAGGCAGACTG
ACTATCGATAAAAGTATCTACTTCGTTGCATCCCTAGGTTGATACATAAAATAAAAAATA
TATAAAAAGTGAGTTAGTACTGGTATTAAGTAATTTTAAAGCTACAAATTGATGAATT
>EP77365 (+) Dm TSP42EB; range -499 to 100.

AATCTTGTTGAAGTTAGGCTGGGAGTGCCTGCTAAAAGGTTTATTGCTCGATTGATAG
TACATAAATCTAGGCGATAAGATCGGGGACTCACGGGAAACGGACTCCAAGCAACGTAA
TATGTGAGTCAGCGTGACCGCGTACTCTTGACTGGTGATAAGGCAAGGTGTGGAGGGTG
TGAATGATTCATCTTATGAACGATCTAACGCCCCAAGATGGAATCGCACGAGGGCTAGA
TAAATTCGCCACCCAGCAGTTTGCACCTACCATTGTTGAATGAATCATTGCGCCAAGG

ATGTAATTTCCAGGTTTCGGACCACCACAATGATCTGGTATCTCGTGGGTGCAAAGCGAT
TCACCAAGTACAAGTACATGGGCATCGGAGCTTCCAGCACAAAGTACATACGGAATTTTAT
GGCCGAGATAAGAGCGCAGCCGATAAGATGAGGACTCCGAGTAAGCTTTAATAGCCGCGT
TCTGTCCGAGGGCCATTCAAGTTAGACGAACATCGTCACATCGAACGAACGGATTATCCA
GCTAGCCAACGAGAAACCCGAACAGAACCAGCACCATGAACTGTCTATCCGCGATGTTT
>EP77366 (+) Dm BCDNA LD16427; range -499 to 100.

TACTTCTCTGAGTATTGAATTTGATCGGCCGGCATTGCGAAAAGCCAGAAAACCTGAGGT
AAATTAAGCAATTTTACCAAAATAGGTCAATAAATTCAGATAGATATGCCACAACCTGATT
CGATTCTAAATACTATTGTTATCGCTGCACGTATCGAACATAAAGTTATCGATTTGGTTA
TCAGCTGTCCAGTTAACAGCACCTTTGGCGGTAAACTCAAATGTACTGTTTTTAATGGCA
CGATCTTAGCGGGCTTTAATATATTGAACATAAACTTTTTTCTGTATAACAATATTTTTG
CAATGTTTAAAGCCATTTTAAAGCCATTTTGTTAAAAAACGAGTACTTTGTAAAAAGAT
GCTGTTAGAAAAATGTTAACATATTTAGCGAATGAAAACTCAATTGGATAATATGTGATT
TCCAGTGTGACCGGAACTCGCAGGCTCGCACATTTTCCAAATGCAATCGGCAATTTCTCC
GTTACTCGCCCATGGCCACATTTGTGCATGTGCGTTTGAGGTTCTTTCTTTTATATA
AGCCCCCTCGTCTTTGCCAACAAACCAACAACAACCAACAGCCAGGCCAGCGGGCAA
>EP77367 (+) Dm CG3961; range -499 to 100.

ATGCCGCTCTCTCTTGGAGCCCTGGCACACTTACAGAAAAAGTTAGAGTTTAACTGTGG
CTCATGATAACATGAGAAATAAAGTGTGAAGAAATAGGAAGTGTATTTTATATCCATTGT
TAATTTTGTCTTGTAAAGTAATTATTTAACATTGTTAAAAATTTGTGAATTTGGATGAAATG
CATATTTAAATCCAATAAAATGATTTAAAAGACAATATCAATATTAATCATATCAATAA
TATTGATAAACCAGTTAAGGCTTTGGCTTAAATTAAGACTTTAACTGTTATTTTGCAGAA
AATACTTGTAACCTATTTGCTCGGTGTATGCACTGGCTCTCTGTAGTTAGCGGTGTTCCG
TTCTCCGTGTGGCTTCATTATGCGATTGCGACTGGTGTGTTGTGCTCGCTGTTGTTGG
AACAGTTGCACGCATGCTCAGAACACGGACTCAAACGCAAACTGACTTTGTTTCCGAGAT
TCTCGGTTGGCAGTACTCAGTTCTGTTGCGAACGTCCGACCGTTTAGCAGTAATTTTCC
GGCATTGCTTTTTCGGTATTCCATGCTCGGTTCTAGGGCTTTTTCTCTCTGTTTTCGCC
>EP77368 (+) Dm CG1674; range -499 to 100.

ATCTATAAAGAAATATCGAACATCAATGGATATATGTATATTATCATGTTACAGTATTTTCT
CGAGATATTACTTTGAATATAATCAAATTTGGGCGATGTTAACTTAAAGATGGTTCGCAC
TTTACTCATTCGTAAATTTAAGTTTTAAAAACAAGGTATGTATGTAAGTGCATATAAGAC
ACTGCGACTTATAACTATAAAAAATAGTAAATAAAGTACTCCGTTCCAATAAAAGGGGCTC
TCATCGATGCGCTTTGTTGCCGAACAAAGATGCTGTATACATACGTATAAATTTACGAGA
AAATATTTTTGTATTTGTGAAAAATAAATGTATTTGTGTGACTTTTTAAATACACATTTT
CCAAATTGCTGTATGCGAACGAGCCGATAATCAAGTAAATAAGCATGTGGACAGTGTGGA
AGCTATCTTTGATGTGCAATCATATTCTTAAAGGCAGGCGCATGAATTCATGTTCAATTCT
ATTGGCCTATACGGATTTTAGTTGTATTATTATCTTTCAATAATTCGATACTACAGTATT
GTTTGCAGTAAATATTTTTTAAACAAATAACATTGGGAAATAGGCAAGTGAAAAGATAT
>EP77369 (+) Dm L(2)06496; range -499 to 100.

GATCTGCAGTTCGACGAGGAGGAGCTGCTCGTGGAGCACATGGCACAAGAGTCGCCACCAC
GGAATCGGCGATAAGGAGAGCTGGGACAAGCCCGAGTTCTTCTCCCGTACATCGAGAAC
GATGGTCTGCTGTGTGTGCTGGATGATTCCGGAGGCGATGACCCGGACGTCGATACGGTG
CGCATCATCTCCGAGGATAGTCTGGCGCAGATCAACAAGGATGCGGAGCGGTTGTCCCTC
GAGAATTTTAAAGCTGTTGTAAGTGAATTTTGTATTGTACAGTTTACGTTTAAAGAAA
CTAAGTAAATAGCAATGGAATTTAAGTGTGTACTATATTTATAGATACGTATGCACCAAA
AACTTTATGCAGAGGAGCTAAATATTTTATTTAAATACCATATTTTTTAGTCCGCATAAG
GGTTAATTCGTTCTGCTTAGCGAGTACAAGAACCTTGCCACCAAGCTAACGTTGCCACCT
TTTCGTTGGACATCGATTGTTTGCAGACTGACATCATTTCCCATCAAAACGAACAAAATA
AAGAGAAATTCAGCGAAAAATGGAGGCACTGGACATTCTGGAGAAGCGCATCGATGCCCT
>EP77370 (+) Dm BG DS02740; range -499 to 100.

GGTCCGTGCACTACGCCGCCGCCCTTCAGCATGGGCGAACGGAGGGAACCGTGGCGGGCA
CGACCACCTCCCTTTTGGGGCCACGGCTTCCGACCACCACCGCGCACCTCCGCTCGAGTT
TTGGTGTGCGCCATGCTTACATAACGATACTTGCTCTGCCACTCCACATTCTCTGTATG
ATGTCCACGCGCGGCTGGGCGGCAAGACATCCGGATGCAGTTCAATCAGGCCAACCTTT
CGCTCCGCCACAGCATCCGTGTTCTCAATCCATGCCTGGCGCGCGTGTCTCTGCTCACC
GGCAAGCAATCTGTGTAATCTTGGGCGAGAATAAGGGGTGATCTTGTGGCCGGAGGTGCG
CCCACTGTGCGACGGCTTCCGTCACCACATTGCCGTGGTTGCCGCTGCGGCTGAAAGTC
CTTGCTACGGGATAAAGCACCTGCCTGGATGTTTTTAAATATTGTTCAACATTTTACTT
TGCAGGCGGTAAGGTCTATCGATAGGCTAGATTAAACATGGGCACCTCAACGCCGTATAT
CGATTACTTGGTGAATACTGAGGCTACACCGTGACACGAAAAATGTATGTGCACCCATTT
>EP77371 (+) Dm CG3683; range -499 to 100.

TCCTCGGAGGCACTTGTGCTTCAAGAGAACAGCGTTTGAACATCTTCTCAGCTCG
AGGTCCTTGGGATCTTGTAGCGATCGGACTGCCCAGGATCAATCTGCCCAATGGAATTG
TCTTGGCTTTTGGTTTCCGCTCCCGCTTGAATCCTTGTTCAGCTCAACTAAGTCGTTT
AACGACAATTTGGGGTCCAAGTTCCTTGCAGCTGCTGGAAATCCATTTGGGCGCATCC

TTCGGCAGGTAGCCGCGGCTTTTCAGGTAACTAGCGGCGACTGCCAGTTGTCGATGAGG
TTCTTAACAATGGTGTCAACCGAATTCTCACTTAACCTACTTTTAAATTGCGATCAGCT
GCAGCACTATAAAATAGACAGATGTATAAGATTAAAGAAATCATTTTAATTTAAATTGTG
AGCCTGTTATCGATGACTTTGTGAAACGGCTACACTATCGATATAAATTGTTATTGACAG
CTACGTCTCAGCAGCCCTGGATCTAAATCAGCTGTTGTGTTGTAAGCAAACGTAAATTA
ACAAAATCCTACAATTATTTTGTTTTTTATTGAATTTTCATAGCCTTTCAGGTTTTTGGTT
>EP77372 (+) Dm CG1883; range -499 to 100.

CCCTGTGGGGCTTTAATCGCAACATAAGTGGTGATACTCGCCGCTGAAGCATGGTAGATA
ACCCTAAACGAACCTATCGATATATATTTTCAAAGAAACATTTTATATTGTTTCATACAAC
AATTTTTTTAATTTTATAGGCTAACAACCTTAACCTATTAATAAAAAAATTTTATAATAAAG
TTTTTCCAAACATAAACCCATAGTGGCATACAAACCTTATCGATGCTAACTCATAAATTCG
TTATACACAATCTTTGCTGAGAACTATCGATTTTTACACGCAAAACATTAAAACGCTGAA
ACACTTCAAAGAAATATAATCAAATTTTCTGAATGGATGTTATGTTATAATGTTAAATT
TTATATATTTAGCCATCCCTCGTATTTTCGACGAGTAATTGCTCCTGCAACTGTATCGAT
AGTATCGCACAAACGTTTCGCGCGTGTCTCATCGATAACAACCTCGCTCTGTTTTCCACCTCT
ACGTCGTGGCTCGACTTCTTTTCTGTCAAATAGTCGACAAAGGTGGTACTTTTTTTCT
TCCGTGCGCGAAAATGGCCAAAATACGCGGTGCCACAACGCAAGTGCAGCGAAATAATAA
>EP77373 (+) Dm CG7808; range -499 to 100.

GGCAATTGTCGCGTTTTATTTATCAAATTGCTTTTTATTTTCGGTGCAAAATGAGGGTGTGA
CCGTGTGCGCAAGCCACAAGCTAACATTTTACCGAGCTGTACGAACGCAAGCTGGCCA
CACCTTATTCACGGGTAATATATTTTCGACAGCAGTAGTGGTATTCTCAAATGTTAAGTT
TATAATTAATAAGTGCTCCTGTTGTATTCCAAAATACATGCTCTGATATATATCTTAAT
TGTAAGCAATATAATTAGATATTAGTAAATACAATCTACCACTATGGCTCATAAAAATA
ATTGGTTTCACATTGCTTCATACATTTTTAACTAAATTTCACTGATTCCAGGTGCTAAAA
ATTAATATTTGAATTAATGTAACAGCACCGAGTGTACTGTAGAGCGCGCTAACAGCGC
AGAGTTGCCCAACCGCGGCAACTGTCAAAAAGATAACCTACTTTTTTGACACGAGGTGC
TGTGCGTGTCTTTTCTTTCTTCTCGCTTTTACTCGAACATGGGTAAGTCGACTCTCG
CAAATTGCGTCGAAATATCAAGAAAATGGGCTCAATACGGCCTGCAAAACCATGAAAGT
>EP77374 (+) Dm CG1746; range -499 to 100.

CACAAACGATTATACATACTTATTTGGCCCTACACTTGCCAAATTCATTGAAAACCTATC
TAATTTATCTAATTATCTAATTATCTAATTTATCTATTGCATTTGCTGGTTGAAAAATTT
TCAGAATGACCCGTTTTATGGACCGTTTCGCCAAAGATTTATTTTATTAATTTGTAGTA
TAAATAAATAAACAAAATAGAAAGACGCAAGTTTCGTGGGAAAGGGCTATTTAATTGATT
CTACGTATCCACTACTGTTATGGTCACACTGCGCCTATTGTGCAAGGGCAACCTCCTATT
CTAGCAAAGACTCGCTCCTGGGGCGCTCTGCTGAAAATGTGTAGCCAGGACTTGACAC
CGTGGATTGGGTTCTCAACCAAAATGGTATTTCTGGTACTTTCCAGTATTAAATCGACCT
ATCGTCTTTTTTCCAGCTCCCGCTGACGGCCACACTTAGCACCCCCCAAAAGTCAGCGA
AATTGTCAAATTCGTTTTACTGTTGTGAAGGGTTCGTTGCAAGTGAGTTGCTTTTTCCGG
GTTTTTCCGTCGCTGGCGGAGCACCCCTTATCAGCACCCCTCTGTTGGGTAACAGCC
>EP77375 (+) Dm RPL12; range -499 to 100.

AATAAAAACAATTTTCATAAGTTGTAAGATTAGAAGAATAATCGATAATTTTTTAAGCCA
AATGCCAATCAATCGATATACCAATTGTCTTGTAATCGGTTTAGTAAGTTGATAGAGAA
AATTCAAATAAGTATTTCTTCAGCTAGCAGATATAAATTACTTGCATAATCATAAATAAA
TATTAGATTGAACATAAAAAATTGAACCTAACTGAACATAACAAGAAGATAAAAAATTTAC
AACGACCGCTATGAAATGTAGTTAAAAAATGTAATCTGAATTTAATTAACTTAAAA
TATATCAACTAGTATTTAACATTTTCAACAAAAAAGATTTCTTAAAGCCTAATTTT
AAATTAAGAATAAATAAAAAATATAAACTCATTACACTCGTTTCAATTCGCGTTCATTTC
GAGACACTTTTTATTCCGATAGCACTGGGCGATACATCACTTGCAACGGTCTCCCGGA
AATCGATAGCTTCTTTCTTTTCTGTGTCTTTTTTTCGGGTAAGTACATGAGCTG
AAAATGTCTCAAATAAAATCGGCGAAAACCTAACGTAATCTTTGCCTTACAGCGACTGTT
>EP77376 (+) Dm CP1; range -499 to 100.

GCACTACTTACGGGATATATAATGCGTTTTACTTTGTTGAGTTTATCAAAAATTCAGTGAA
TCGTCAATTCCCAATGACGAGCAAAATTTGCTTCTTCTTACCTCAGCAGTGTTACCATC
AACGGGTGAATTCTAACATTTAGTATTTCAAACACTGTTGAACAAAATTCAGTTTAGAC
ATTTGTTGTATAATTTAAATTGAGTTTCGTTGAGTGACTTAGAAATCTTTCGATTGCAAAA
GTAACAAGAGAGGTATAGTTTTAGTTATTTAACTCATTATTAATAAACATAAACTA
AAAAGCTCTTGCAATATTTAGGCTGACCAATTATTTGATTTAGCGACTGAATTTGGCC
GTTTTACACACAAGAAGTGCATCACTGCCACGCTGTTATCGATAAGCCGTCTGCTCAGG
CAACTTCTGGTATTTCCAGAAGATTCGGACTGGTCACTCTGTCGGAGATTTCTTGTTTAA
ACAATTTCTGCTGGTTTTTCATTAAACAACGAAAGGTCTTTGGGACTGGATCATCAAGAGC
GACTTGTTAAATACAATCGTTGACTTGCACATTAGTGTTGTTTCAGCCAATTAAGA
>EP77377 (+) Dm CG4233; range -499 to 100.

CGGAAAACAGCTGCGCGCGGCGACTCAGAAGAAAGCTTTCTTCGACGATTGACGGGAGTG
CTGCGAATATCGCTTGAAGGAATAAATATTATATATATTATAGCTTATATAACAATTA
TAAATATAGTTATTTTAGAAAAGTAAGTATAATGTTTCTGGCAACCATATATTAATTA

ATGGGGATCGCGGAGAATAAATATTTTCATTGCCTACTTATGGGCATGTGCTCGAATACTG
AAGCATATTTTCAAATTCAGTAATTAACCTTACAAAAATGTAAATTTTCCAAATATTC
AGTATATGAAAGCCATAAATTAACCTGATTTTAAATAGTTTTTATTCACTCAGTCATATT
TTGCACAGAAGCCAAGAGTTCGGTTAGAAAAAGTCCAAAAGGGGAGCACTGGCGAGCTTT
CGCCCCCGCATAAATATCGAATGCAGACCGGCAAAAGCTTCAGCTCACGACCTTTTGCG
CTTGCCGCTTTTGTCTTTAGTATTCTCTTGAGGCCGGCGCGATTGGCAACGTTTATTAC
AGTTTCTAATTGTTATTAACCTAAAGCTTAGTACAACCACCGAGTGCATTTAGCAATGTC
>EP77378 (+) Dm RPL31; range -499 to 100.

GTACTTCATCAACTTGGAACTACATTTTGGAGCAACAATTTGGGGCATTCCATTAATAG
CCACACAACAATGCAATAATAATTTTACTATGAATAATAATAATAATAAAAACTAT
GAATCGAAATATGTGCAACCATTTTATTAAGATTTTTATTAATTTTCATTCGAAAACATT
AACTTAATCTCCAATACTGGATTTAAATTTAGCACTGTTTAGTAAATTTAATTAAAAAT
AGTTTTTATAAAGTATTTGGTTTCTTTCTTTTAAAGTACATTTGAAAACTAATTTGATT
TTTTGTTTAGAGTTAAGTTTTATTTTTTATTATTATTCAAACAAACCATGGATTTAGAA
ATTCAATTTGTAATTCCTAATATTGCGCTTTGCGGAATACCTAAATTTACTTTTTCA
GGCATAACGATATTCACGATGCCGTCGCACAATGCAGCCACACTGTTTTCTGCTCACCT
CTAGCATCTCTTCTTATCTCTTTTCTTTTCTGCTGCGTTTCCGGAAGAGGTTTCGTAATTT
GCGATTTTGTATATTAATCGGAAACATCGCATATTTCCACGAAGTAAATGCAACAAAAAC
>EP77379 (+) Dm GYS; range -499 to 100.

CATTTTTAAAAAGTTTGCCTTAGTTGACATGAGAGCTTAAAAATATTGTAATAAAATTA
TATATTCATTGTTATTCAAGGTAAATTAATTTTAACTGCTTGATAATATAGAGTTT
TGACTGGTACATCAGGAACATATTAACCAGAATCCTGACACTTTTCAAGTTGTCATCAAC
AAAATGATGAATGGTCATCATCAAAGCATAGGCACTTATTGCCGACGACACAGGTACCA
ACATCTGCTCTATGACGTCGATTATTAAGGCATCGTTTAAATTTGCTATATTAAGACT
GCCAGTTTTTGGCAAGCCAATGAAAAGTTGCCACACTGGGCACAGGCGAAGACAGTAGC
AGTGTGCCAGACAGAAAAATATAAATTTCCCTCCGATTTCTCTCTGCGCAAACTCCCA
CTCGCAATACAAAAACAACAGGAACAAGAACTCTCCCGGCTGCCCATGGATTTCTTTT
TGTTTTCGAATCTTTTTTCAGTTATTCTGTTTTGTTTCGTGTGGCCAACAACAGCGACTGC
GGTGGCCCCAAGGTGATTGTATTTCCGAGATCGGGGGACTATATATATAATATATAGCCG
>EP77380 (+) Dm PGI_1; range -499 to 100.

GTAATTCATAAACAATGACTCCGGTAGTTTTAATTTTCTAATGCGTGATAATAATTAAG
TGCTTGAGAATTATAAGATTGCAGAGAACTTAACAAAAAATATTTTGTGAGAAGCTAATT
ACAGATAACAAAATATTTTCAATTTATATGTGCTAATTTAACGGGTAACTTTAAAGTAAT
TTTAAGAATGTTTTTATTTTACATTTTGTACATTAATAATAGAAATGCTATTTCGATAG
TCATTGACACCTGACAGCCCTGAACACCGAGCGTGCTGCCACATCGAGATAAAATTATGC
CGTTAGCGGCGGTTAAGTCGTTTTGAAAATTTAGTTTTATGTCCTTTTGCCTACCGGTGC
AGACGATCTAGGAGTAGGAAGTTCTCAGTTCATCTCCACGCGGCCACACACAGTAAATTC
GCACACACTGCAACCGATCGGCACATTAACAAGAGCGCGGCCGACGTGGCAACACTC
GCTTGTTTTTCATTTGACATTGAAAGGTGCTCGCAATTCAGAAAGGACGTTGGAAAAT
CGGCAGCCGCTCAGTCAGTACCTATCAAAGCAAACACGGCGAAGTTGTGGTGCGGTGCT
>EP77381 (+) Dm PGI_2; range -499 to 100.

GCTTGAGAATTATAAGATTGCAGAGAACTTAACAAAAAATATTTTGTGAGAAGCTAATTA
CAGATAACAAATATTTTCAATTTATATGTGCTAATTTAACGGGTAACTTTAAAGTAATT
TTAAGAATGTTTTTATTTTACATTTTGTACATTAATAATAGAAATGCTATTTCGATAGT
CATTGACACCTGACAGCCCTGAACACCGAGCGTGCTGCCACATCGAGATAAAATTATGCC
GTTAGCGGCGGTTAAGTCGTTTTGAAAATTTAGTTTTATGTCCTTTTGCCTACCGGTGCA
GACGATCTAGGAGTAGGAAGTTCTCAGTTCATCTCCACGCGGCCACACACAGTAAATTCG
CACACACTGCAACCGATCGGCACATTAACAAGAGCGCGGCCGACGTGGCAACACTCG
CTTGTTTTTTCATTTGACATTGAAAGGTGCTCGCAATTCAGAAAGGACGTTGGAAAATC
GGCAGCCGCTCAGTCAGTACCTATCAAAGCAAACACGGCGAAGTTGTGGTGCGGTGCTC
TGGAGATTTGCCGAGCCAGATAATAGGAACTACCCGACGCTAAGCAGCCGGATCCGCT
>EP77382 (+) Dm NACALPHA; range -499 to 100.

AAGCCACTTAAATGTTGCGGTGTTATCAATTTGTTTTAATGTTTTCTTTTATGTAAA
ATTATAACTGCATTATCAAAAACATAAATATTACGTTAGTAGAAGATTGCAAGCAAAGGT
GACCCAAACAGTGAACCTTACCTTTGAAAAAATTTTAACTTGTCTTTGAATAATTACG
AAAAAGAAGTATTTCTTGGGATATTATTGCTTTTTAAGCTACTCCCATATTTGTTTATA
GTTTCGATTATTTAGCAAGCCTTGATAGTCAAATTAATTAATAATTTTATGTCATAGTG
CTTTACTATAGAGGTGAAAGATTAAAAATGTATTTTGAAGTGTCTTTTTTGAAGTA
ACGTAATTATGAAATAGAGTAGCCACAAAGTTGAATTTGTCATACCTCATACGCATACG
TTCACACTGACAGAATATATCGCTTGGATTTAAGAAAAATCGTGCTAAGCGACAGTCACA
CTCCCCCTCCGCCATATTTCTTTCTTCTGTTTCCGGTAGGTGTGTGTACTCCGATTTTTT
GACTTCAATTTAACTTTTGCCGAAATATCAGTGAATTAGCGCCTTAAATTATGTAAAAATA
>EP77383 (+) Dm BJ1_1; range -499 to 100.

AACTCTATGTATTTTGAATAAAGTTAATGGAAAACCTTTCAAATAGTATTGTTTATTT
TCTGATCTATAGCATGCAATATACATACAATCACGTTGAAAATGAAGCATTGGCTTAAAG

GTAGAACATTTTATAATATTTAACAACAAATTTGTTTTGAAATAATGTGAGTGGGTAAGG
AAAGTTTAAATTTCCCGCACATTATCGATAGCTCTTTCGATAGAATCGGTCGGCAATCGG
CTCGCAAACCTCGCTAGAGAACTGTAAACCAACTGTCATAGTTTGAGTTCACGCTACGCTC
CATTCTAAAAGTTATCAATATCTCGAAATAAATAAACTGTGGGTATAGCAGGCTTTGTT
TTATTATTTGCAATTAGGAACAGTGCAAAGATAACAAAGATGTACTAACAATTGGTCAAT
AGGCGCAGAAGCGACCTGAAATTGGAGTGTGACCTCGCTAATAGCCAGATGCGGCGGGG
AATTGCGCAAGCCGCAACACTGTACCCTGAAGGCCAGTGCCGCCGCTTCCCGCGCATT
TTCTTCGACCCAGGTAGGTGCGATTGGGATTCGCTTGCAATTTGGTGTTCCTACTCGCCTC
>EP77384 (+) Dm BJ1_2; range -499 to 100.

ACGTTTGAAAATGAAGCATTGGCTTAAAGGTAGAACATTTTATAATATTTAACAACAAAT
TGTTTTGAAATAATGTGAGTGGGTAAGGAAAGTTTAAATTTCCCGCACATTATCGATAGC
TCTTTCGATAGAATCGGTCGGCAATCGGCTCGCAAACCTCGCTAGAGAACTGTAAACCAAC
TGTCATAGTTTGAGTTCACGCTACGCTCCATTCTAAAAGTTATCAATATCTCGAAATAAA
TAACTGTGGGTATAGCAGGCTTTGTTTTATTATTTGCAATTAGGAACAGTGCAAAGAT
AACAAAGATGTACTAACAATTGGTCAATAGGCGCAGAAGCGACCTGAAATTGGAGTGTG
ACCTCGCTAATAGCCAGATGCGGCGGGGAATTCGCCAAGCCGCAACACTGTACCCTGAA
GGCCAGTCCGCGGCTTCCCGCGCATTTTCTTCGACCCAGGTAGGTGCGATTGGGATTC
GCTTGCAATTTGGTGTTCCTACTCGCTTCAAACCGCCGTAGCAACACCATCTAGACAACG
TGGAACTCCCGCTGAACCAGAGACCGGCATTATTTCCATTGTGAGTGTGAGCAGAACTAA
>EP77385 (+) Dm BCDNA SD06613; range -499 to 100.

GAGTACATTTCCGGTATTATTTATGAAATGGAAATTTAAATATAATGTGAAATTTTTTGAT
ATAGAGTGAATTATTATAAATATGGAAATCAATAATTACCATTACATTTTACGTTATTT
CAAAACAATCGATAATTACCATTATTCTGTACAGTTGCTCGTACTCACCATTGTTGATC
TATCGTTAAACATTTATAAATATTTGGTTATATTAATAAAATTGCAACACCTTCAAA
ATAGTTTAAATTTGTTATACATTTTTAAGGTATAACTTTTCCTAAATTATTGTAAATATA
CATATATGGTTTATTTAAGGCTGTAAATTATCAAATCCCTTTTCAAAAACCAACCATTGT
TCAGAAAATATAAATTATATATTTTAAATTTTACAGATATATACTGATATTGAACCGGCA
ACTATCGATTGTCGAAATGCAATTAGCGGAGAAACATATCGTGGCCCTTATGTTTCTGTC
AATCGATGTTTCTACCTTCACTTTGTTTCCGGCGTGGTGCCTAAGTTGCTCCGCGTTTT
CGCAATTTTAAAGCATTATCACTTTGTTTGAACCTAGGCCGGCCATGTGCCTATAAGTT
>EP77386 (+) Dm CG12040; range -499 to 100.

AGGCGAAAAGGGCGCACGCTCCAAAAAGGAGAGAGTGACCCTACACTCTCTCCCGAGCAA
CGTACACTGTGAGAAAAGGCATCTTGATACCAAATGCGCAGGTCAAAGTAGTGCTCA
TTTGCTTGGATTGTGTGGGATTAATTTATTTAAGATAAATTAACCTCACGTTCAACACA
AACAGAATTACCTTTAATATATTCATGGTTCATGATATTCATAAGTTCACATTGGGGTTC
ATTTGGACTTGAATTGTAATGCAATTTGATTGAAATACTGTTTTAAAGTAACACGATTT
AGCGAATCGTATCAGCTTTTCTTCTGTGCAGCATCATCGCGTGGGAGAGAACGGGAGCA
AGAGTGTAAGCTCTTTTGGCGGACGTCGCCACTGCGTCTCTCTCTCTCTCCACCGCT
ACCTTTCCACGCTCCTTCGCGGCTGCTGGGGCGGCGAAAAAGATTCAAGAGCAGCCCCA
CTCGCCGCCAATTGCTCATTGAAAAGCTCCACTCGCGGCGAACGGACGTGCACTGAGA
TATATAAATCCGTGAGGGCGCCAATTCCATATAGGAATCGGTGATAAATCCATAAAATCG
>EP77387 (+) Dm EXU; range -499 to 100.

CTATATTTTATTATAGCAGCGGTAAAAATATTCTGCAAAAAGTTTTACCTGCACAGTGG
GCGTTGTGGCAAGATGTGGACGAGTTGCAGCTGTCTAACCCTATCGTACTTAAGTCAAAAA
CCTCGATTAGCAGGCTTTGCATATGTCAAATTCGCGCACTTTTCTAGGCCGTGGGTGTC
ATCAGGAAATTATTCATTACGTTTTAGTTAGTTCGTACGAATTTGTTCTTATTTGTGAAAG
CTCGTCGAACAGAAGCAAATTTGCTTTTAACTTTTGAAAAATAAAGGAAAAAGTTTCGTA
AAAAGCGAAAGAGCCCATCGAAACCAACACGAAAAAGGAGTTCAATAAAGGTGAGCCCAA
AAGAAAAGTGCTAAAGTGTGGTGAAAGTGAACATACATACACATAAAAAACATCTGT
GTAAAAGATGGCGCCACTGGAAAGAAAACCGTTAGTTGTAGCTTTGGGTTTAAATAGACTCT
TGAAAAATTCGTAGCCCGTCACTTCATATCGAAAATCTAGTGAAAGCGGTTTCGCGTTTTGC
AAAGGAAATCGGTTCTTAAAAAATAAATTTCTAGTGACTCAGCTAATTTCTGTATCCG
>EP77388 (+) Dm GLT; range -499 to 100.

AGCCGACCGGATGAGATTAAGACCGTCAGACGCAGCAAAGCTATACTTATACATAAATGC
TCAACCAAGAAACCGGCTGGAATTGAAAAAGTGTTCGCTCGGCAATTTCAATAGTTTGTA
TAGTATATGTCCATTTAACATGTTTTTAATATTTTATTAAGTGCAATATAAACAGATAC
TATCAGTAGATTTAACTACTTCCATTGTCAACTAAATGAACTCATAGTAGAGTTTGTA
ACATCAATATCGAGGGTGGTTCAAAAATAATTCAAAACACATCCAGAATAATCTAAAT
ATTTCTTCGTTTATTTTTATATTTTATGCTTTTAAACAAGTAGTTTAGGTTGGAAAACCAT
ATAGTTGTATACCTTTTATAAGCTTTTCTAGTCATTGCTCTAATGTGGTATCAAGCCAAC
CTCGCTGATCGTCCCAAGGCTGTTTTGATTACAGATAGTGTGGAGCTTTACAGGCCGT
CGAATCCGATTGCGAAATCAGTTCTCTTTAAAACGCGGCGGAGTGAGCAACATGAAGCCG
TTGCTCCTAGTGTGGCACTTTGTGGGGCCCAAGTCCATGCACACTCTGTGGGTCTACGG
>EP77389 (+) Dm CG6391; range -499 to 100.

TCGCCAACAAAAACAATAAACAGAGACTAGATTCTCAAATAAGAGTACATTAAGTTTTAA

AACAGTCATAAGCTGCAGAAAAAAATTGTTATTTTTATATATAATCTTTAGTCGCATTGT
ACTGGATCTGGAAATATACATGAGCGCCCTCCAGCGGCTATTATGTAACTGATTATGAA
TGTTCTGTGTAAAAACAAAAGAGGGCGCCACTACAACAAAGGTTTGCGGATAGCCGAGAC
TCCCACCCATAAAAAACAACTATTTAAATTAGCTACAAAATTAGCTTAATCTGCAGTATTC
CGCATTATGTTTATCTTCATAAAATTTACTTAATTTTAACTTAATATTCAAATTAGAAAAAT
AAATCAGCACAGAATTTAGCTTCGAAAGAGCTTTTTGGTATATCTTCATTAAACGAAAACG
GCACAAACGGTATATATAGATGAAAGCCGGATGGTTTAACTTTCCGATAGTCGCACGGTC
ACACTCTTTGAAAGTGAATAGAATAAACGTGAATAAAGCGAGAAAAGCAAGCGCAAAACG
TGAGACTGTGTGCGTTCCGCGTCTCTTCGCACCGAAGTGGATTAATCCGTGGATGGAGT
>EP77390 (+) Dm VHASFD_1; range -499 to 100.

GTTCTGCTCAAAGACGTTTCCCCGCGCTAGCGATTTAAAAGTTCACATCCACACGGGGGA
AAAACCGTATAGGTGCTCCAAGTGAATAAGAGGTTTTCGGTTATATCGAATATGGGTAA
ATACCAAAGGAAATGCCTGCCGTGATCTCCGTGATTCTACTTTTAGGTTGAAGAGTAAA
TAAAGCTTTTAAAGTTAATTTCAAGACACAACGTATGTGCTTGTATTTGGTAGATTTGAAA
ATTAATTGAAATAAATTACCAAACTACACATAAAGACCACAAAATCTTTAAAAAATC
TTTAAATGTGTGCTTATGACGGAAATAAAAAGTATAATGAATAAAGATCCAATTTACT
TTTTTATATACTTAATATTTTCAAATTTAATATACCACAAGTACAGAAGTCGCGTTGG
CAGCTCCAAGCTACCGATAACATGGGGCTCTGCTCGTCATATCGATATTCTTATATATCG
AATATTGATTGAAGGCTGCAGAAAAGTCAAGACCAAGTCAAGTGAATTTCCGTGCTGT
GTCGCAGTAGTGTGAAAAACACTCGGTTGTTTATAGATTTTCTATAAATTCTGTGCTT
>EP77391 (+) Dm VHASFD_2; range -499 to 100.

AGGTGAAAGAGTGGGGCAGAGAGACTAGAAAGAGAGCAGCTCCAACATAAATGACACGGA
GAAAGCGCTGCGAGAGAGCTGCAGCGCTGCGCGTGAGAGCAATGTTGGAAATGTGTGAAT
GAAAAATTACTAAAAATGCTTCTTTTTGGGCATTTTATACCTGTTCTTTGCTCTGAGTGC
ACTGCTGACGTCTCTGCATCGTGCACAGTGGGAGAAAAGAAGGAGAATGCCAATAATTAG
CTTTTTTAATATAGCTACTTATTTAGTTTAAATAAACAAATATGACTATATGCTTAGTTTC
ATATAAAATTAAGCAATTGTAAGAACTAGCTAAGTTCTTTTTTGTGTGTAAGGGGCAGCA
ACAACGCAACAAGCTTACCCGACGGACAGTTCTTCTCGCTCTGCAGTTGCTTGTGCTCG
CTCTCTCGTTGGCTCCCTCTCTCAATGAGCGCTGGTTGGGGCAATGGCAATTGTGGCTGC
TGCTCAGCTTGCGGTTTTCTTCAATCAGCTGAGTTCGCCGCGTTCGGTTTTCCCGCTGC
CGATTCTGTTACCGTTACACCGATCGAATATTACGCGTCTTGCCTGTGTAAGGAACTG
>EP77392 (+) Dm BEST GH02216_1; range -499 to 100.

TGTCATCCAAGAACGTAGCTTGGCGCGGTTCCCTTGTGCTAACTATATCCCCGCCTCT
TTCTCGGCGCTGTGCGCCATCCGCTTTGAATTTCTGATTTTTATACATACACCTCGAACT
CCAACGGTTTTGGTCAAGGGACTGCACTGGAGGACATTGCGGTTCCGCTGGCGACATTCA
TTTTTGTCTCCACTGACGTGTCAATGAATATTCTTTTTGTAAAAATTTCTGCTACTTTTTG
GGTAAACAGGATGGGGCATCTTTGGTAGTGGATCTGTTGTAAAAATATAAAATTGAAAGT
TCTTTAGTTATTTTTCTTTTTTTTTTAAATTAACATTGTTGAATGCACATTTGGAGC
ACTCGAAGACCCTTCTCGCTCTCGTATTCTTCTGCGCATTCTCCCTTTCCCGGTC
TCTCTTCTCAATTCTTTGTTTTTTTTTGTAGTGCCAACGACGTGAGCTGGTATAAATGAAG
CCAAAATCGTACGAACCGTTTGTAGTCCGAAACGTTTCATTAAAGCCAACGCACGTTGAAG
ATCGCGCGTTCTTCTCCGATCTTTGAAATCGAGTGATTCAAGCGATCCACAGAAATAAC
>EP77393 (+) Dm BEST GH02216_2; range -499 to 100.

AAAACACAATAAATTTACAAAAGGTTCAATGAGCAACGGCGACTTTCAAACACCCTTTT
AATCGAAATTTTAAATATTTAGTAGCAATGCCCTTTTAGAACTGCTTTTATATATATAT
AATTATAAAGATAAAGTTATATTATATTATTTTTTATAGTAGTAGATACAATAGTTAA
TGAACCAGTAAGCTATAACGGAAACAAAAGGTGTAACGAAAATAAAAGTTAACTTAAAT
GTGCCTAAGAACATTACTAATACGCTGCATTCTGTACACAGTGGAGTCCCAAATATTGT
ACCCAGTTGACGGGCACAGTGTACGCTCTTCCCAACAACACTTGCCGCTGCCATTTGGA
ATATTATATAAGCCAGCGGCTAATTGAGTGAGAGGGAGAGCAAGAGAGCGGTGAGTGTAGT
CACTCACTCGGTTTCTCACTCGCTCACTCACTCAGCCGCGCCGCTTTATTTGCCGCTTC
CTCAAATCATTTAAGCGCATTTGACGATTGTTTGTCTTTCCGCACAGAACAAAACCTGAAC
AGAATCGAATCCGTTGCGGTCACATCAACGCATCAAAGCTTTAGCCCTAAATAAAC
>EP77394 (+) Dm CG16758; range -499 to 100.

ATTGTGTTTCTTAAACAATTGACAAATGACAATATTTCTCTATAAAGTTGACTTAATTC
ACTTGTGCTTCCAGGTGTTTCTCAAAGAGCTATACCATATCATATCAGAAGTCCATAAA
AATCTTATCGTAAACACTTTTGCGAAATCATTTATGGTCCTCTCTCACGTTTCTTATCGA
ATGTGTAACATAAAGAGTTGTTTTCTTCTCCGTACACACTTTCTTTTAAATATTTAA
TTTGCTCAATTCAATTAGTTAGGAGCAACGATTCCGGCAATATTCCGCGCTAAACGATTTT
AAATTGAATGCTGAACAACGAGCGCCGGCAGAGGCTCGACAGAGCGTCTGCTCTGCATCCC
CGAGATTCCGATTTGATTCCGAACCCAAATCCGAAGCCGAATCAAAGTCAGAAACAGAA
TCTTTTCTGAAGCAGTACGACGTGACTGCGCCGGAGCTCCAGTTTATAAACCTCGTC
CACCAGACGGCAGCGTTCACTTTACAATCAGCGGTGAGCAGGCAACAAACGTGAAGAAA
GTGCACATAGTACCATACCACATATATGTCATACCATATCATCGAGTTCTGGACGCGGT
>EP77395 (+) Dm BCDNA SD10843; range -499 to 100.

GCGCCAAATAGAAATTCAAATACATAAAGTGCTGAATTTACAATCTTGATAAAATACAAT
CCTAATGGTTATTACTTATTGAGTGAGCTTACATAACTGCCTTCTCCACAAGTAAACGAA
ATATGCCTAATAAACTTATTTACCCATTTTCGAATCCAATTTCCCGGAATCGCCTCCAGC
AGAATTCGATTATATTGGAACAAATAAATGTAAATAAATAACTCAACCCAAACGATTGG
GATGCCAGCTTTTAATTGGCTTGGATTTGCGCGCCCAAATCATTGTCTGCATTGCGCTC
GATGATTTTGTATTAGAATAAATTGAATTTTGATTGCTCGGCACCCCGACTTGCCTCCAT
GCGGGAACATCATCCCACTAAACATCTCCATTTTAATTACTGAACGCATGAGCGGCTGA
GAGCGGAGAGAGAGGATCCACTATCGGGGAGCAGCACGGATCCACAGTGGTACGGAAAA
GTCGGCTGGTCCAGCATCATCTCTCGTTCGCAACTCGAGCTGTTAGGACGTCCAGCTCCA
AGTTTTTCGAGCCAAGTGATCCAAGTGTGTGTGCAAAACAGAGGCTACTCTCGAACTTGA
>EP77396 (+) Dm GPDH; range -499 to 100.

TTGTAAATGTTTATATAAAATAAGGAAATAAATTCATGAAAAATAGGGGAATGTATGGTT
TTCAAATTTTTCACGAATACCGTTAACGATAGTACAAATGCACAATACCAATTTGAATTT
GGCGCCACAACCTGCTCACTTTGCAGCACTGAACAAGAGCATGCGCAAAGGGGTATACAG
TACTGGTCAATATACCAGGGATGCAACGCTCCAAAGTTCGGCAATTGAACCAATCTAAAG
AGTTTAACTATTCTAGTACAACTACAGTTTATTTAAATAATTTCCATGGTTAAAAACAATA
CCAGGATGTACTGCGCATTTGGAAAGTGAGCGGATTTCCCGCTTGCAGCTTATCGCACC
ACCAACACAAAACATACACATGCACACGGACTCTCTTCGCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT
CTTCGCAATCGCAACGATTTGTTGTTGGCCGAGTGCTTGTGTTTGTATATTAGCATGT
GTGGAGTGCAAAACCAAGAATCAGTAGTCGCGCGGTTTCGACGTGTCAGTTTGCAGTACA
ATTACAATTGATTAATCGCGCCAAATCGCGGAGCCAAGTAGTACTTAGCAAGTAGCAAGA
>EP77397 (+) Dm ANON-5C_1; range -499 to 100.

CTGTTGTTACTACCATAATAAACGCGCAATGAAAACAAAAACAGTTAAGCAGATCAAAAT
TTTGTGTCACATAGGTAACAGTGCGTTCTTATATTGTTGTATAAAAAATTAATTAATA
AAAAAAATTAATTATAAAAAATAATTATAAAATATCATAAAATTTAGGATTCCTTCTGCGC
TCAAAATAGTTGGTGTTATAATTATTTTATATAAACGTTTAAATTATATAAGAAATAATT
TTCCTCGAAAAATAATTCCGAAACGCGTAATGTCTTAATTTTATAGCTCTCTAAAATGGT
ATTATTTAGCTTTTCATTGGCATTAGCAAAATAAAAAAGTAAATATTGTGATTGAATATT
TTTGCAATCGTAGTAATTTGATTTATCTATTTTAAATGACGGACTCGGAACCGGTTTCGATA
TCAGCGTTGCCACTGGTTCGACGCTCGAAGTTACAATAGTGCCACCACCACTAGTTCTT
TCCTCCAAGTCCCATCTTTCTTTTTTGACGTGACCAGCGAGAAAAATGGTTGGTATTTTG
TGAGCGAAAAGATTTCTAACCTATTTTACAACGAAACGAACAATTAAGCCAAAGTAAT
>EP77398 (+) Dm ANON-5C_2; range -499 to 100.

CCTCGAAAAATAATTCCGAAACGCGTAATGTCTTAATTTTATAGCTCTCTAAAATGGTAT
TATTTAGCTTTTCATTGGCATTAGCAAAATAAAAAAGTAAATATTGTGATTGAATATTTT
TGCAATCGTAGTAATTTGATTTATCTATTTTAAATGACGGACTCGGAACCGGTTTCGATATC
AGCGTTGCCACTGGTTCGACGCTCGAAGTTACAATAGTGCCACCACCACTAGTTCTTTC
CTCCAAGTCCCATCTTTCTTTTTTGACGTGACCAGCGAGAAAAATGGTTGGTATTTTGTG
AGCGAAAAGATTTCTAACCTATTTTACAACGAAACGAACAATTAAGCCAAAGTAATGG
CTAAAACGCGCCCCAAATTAAGTCCGTTTCAAGGTTGAATAAGGTCAATAGCAGGTGCACAT
CAGTACCACGCTAGTTGAGACGCGCAACGCTAGCACACTATTTTGTGCTACCCCTAGCA
CCTCTGCTTCTCTCTTTCTTTTCTTTTTCGCGCGTTTCGGAGAGGTTGCGTTAAGC
CACGTGCTGAATTTCTTAATTTGCTGGTTTGTGAAATACGGAATTCGTTGGTTTTTTT
>EP77399 (+) Dm CG5469; range -499 to 100.

GTGGGTTTCGAAATATTTTGAAAGAATCCAAGGTTGCAATTTGGAATTAAATATACAA
ATATTTTAGCAAAATTAATAGTTGGTAGCTACTTTTTGAAATTTTATAATCATTTAAATA
CACAATTTAATATTTTAGCCTATATTAATAAATGTGGAATATTCTTAATAACAACGCCA
TAAATATTGTTCAATTCATTTCTTCAGGAAGTGAATAAGGTCAATAGCAGGTGCACAT
TAATTACAGGATGCGGGTGCAAGAAATCAAGGCAATCGAATGAGGTGAGAACCCTCAGGG
AAATCCATAAATAATTGTTCCCGCATTCGAAAATTACAATTTAAATTCAAAACAGGCGC
CAAAACAAAGCATTTTGAAATTAACAGCACTGGAGAGCAGCGAAATACTTTTATCGATA
AGTAAGCTGTTGACGATTTTCTTTTGGTATTTTACTAGCCCGTAGGTATTTACACACA
GACCAGCAACGGGCACACCAGCAAGAAAAAGTGTGACGAAATTATTATAATGCTGCG
AATATAAACAAAGGATTGCGTTGAAAACGTATTAATACGATCTTTGGCACTTACCAATC
>EP77400 (+) Dm CG9894_1; range -499 to 100.

CACATCTGCATCTGCGGAACAATGCTGCAACACTTCTTCCCATCGGCAACATCCACATC
CACTGTTCTGCTCTGTTCTGTTCTGTTCCACCGACGAACGGTCAGAACGCCACAGAGTGA
CTGACCACACACACCACACACCACCATCGCCGCTACCAACCCCGAGACCCCGCCCCAG
GCCCAACAGCGCACTGGCGCGCGCAATTTTCAAATTTACCGCCAAACGCGCCCAACAA
CCGTACTCACGGAACCCAAGCAGATTTGTATGGAATTAATCAGGAAACCCCACTCAACTT
GTCATTTGCGGATCTAGTTTTGATCGCAGCGCTCGGGAAGGCAAAATTAAGCGGA
TACTACCAGCTATAGCCTCGATCAGTCTCTGAACCGATCCGAACAAAGGTATTCAAGTTA
TAGGCAAAAATGTCTGCAACCGATTTGGCGCAAGAAGAAGCAAGCGGCAATTTCTAGCCA
TCGAACGGACGGCAAGCTCAGTCTTGACGAACCGTCGACGGGAGCACATATCGGTGGTT
AGCAAAACCAAGGAAAACGGATATTCATACATCAGTGGGGCTACGAGTAAATCCTTTT

>EP77401 (+) Dm CG9894_2; range -499 to 100.

GCAACCGATTTGGCGCAAGAAGCAAGCGCAATTTCTAGCCATCGAACGGACGGCAA
GCTCAGTCTTGTACGAACCGTCGACGGGAGCACATATCGGTGGTTAGCAAACCAAAGGAA
AACGGATATTCATACATCAGTGGGGCCTACGAGTAAATCCTTTTGCCTGCCGTAGCGCC
GCCTGATATATGGCACCTCTAAAGCCTTACTATATAGATACTATATTATCAGAAAATCA
CCGCAAAATAATATACCAAAAATCCAACGATCGCTCTGCTCTGGGCTGTTGTTGTTGTCT
TATCGACTGCGGCTGTACAAATGCCGCGCGGATTTTTTGTAGTGTATTGTATGGGCCAATG
GCGTGGGAGAGAGAGAGCGAGTGAGCGTCTGAACGATTTGCGGGAGAGCGAAAAAGAGAG
CAGCGAGAGCGTTTAAAGAAAGTTACTCTCTCCTCGAGAGGCAGTGCTTAAATAGACGGC
CCGAGCTGAATCGCATTCAGTGTGTTTGTGTGCTTCGTTCCGTTGCGGTTCTCTCTGTCT
CTCTCTCGCCTTCCCCGAGTATTTTGCCTGGTTTTTTGTCAACAACAAGACAATCCACA

>EP77402 (+) Dm CG5315_1; range -499 to 100.

ACCAGGCTTAAGTTGAGTTCATTGTTGATGTTTTTAATGAGATGCCTTAACATTTTTTG
AAAAAATTTCTCTGTTACTGAAGTGTTTACAGACTAGAGGAAAATTTTCTATTCATATA
ATATACGTCTTGAATTTTCGTACGGTAATTTCTCATGAAAAAAAAACAAATGCCTGTT
AGGTATTTACGCAAAATATCCAATATTTGGTCAGTTGAAGTACCACCTTTGATCGCCAATA
AAAAGTTGTTAGCTCTCAAAAATTTTGACTAATAATGAAAGCACCTTGTTTACCGGGAGC
AATACGATTTGCTGGCAAGCAATTTTCAAATATGGCGGGCCTGCGCAGAGTTGCCACATT
GTTTTACAGAGCTGTGACTACAAAGTAGCGTTAACAGCCGTTAACAGCTGCTGCGTCAAG
GTATGACCGCATTTCTCCGTTCCCATATGATTGCTAGTGATTTTCCCTATCGCGCTTGC
AGTCACACTGGAAAAACACAGAAAAAATTAATTAAGGAAAAACAGATGAAAACTGCA
ATTGCACGCAATTGAAGCAAGTGCAGCAAAATAGTTTTTCGCGCCAGTGTGACTCCTGGG

>EP77403 (+) Dm CG5315_2; range -499 to 100.

ACAGACTAGAGGAAAATTTTCTATTCATATAATATACGTCTTGAATTTTCGTACCGTAA
TTTCTCATGAAAAAAAAACAAATGCCTGTTAGGTATTTACGCAAAATATCCAATATTTGG
TCAGTTGAAGTACCACCTTTGATCGCCAATAAAAAGTTGTTAGCTCTCAAAAATGTTGAC
TAATAATGAAAGCACCTTGTTTACCGGGAGCAATACGATTTGCTGGCAAGCATTTTCAA
TATGGCGGGCGCTGCGCAGAGTTGCCACATTGTTTTACAGAGCTGTGACTACAAAGTAGC
GTTAACAGCCGTTAACAGCTGCTGCGTCAAGGTATGACCGCATTTCTCCGTTCCCATAT
GATTGCTAGTGATTTTCCCTATCGCGCTTGCACTGCACTGGAAAAACACAGAAAAAAT
TAAATTAAGGAAAAACAGATGAAAACTGCAATTGCACGCAATTGAAGCAAGTGCAGCAA
ATAGTTTTTCGCGCCAGTGTGACTCCTGGGCTGCGTGAAGCCACGCCAACTGCGCG
ACTTTGAGTGGTAAGTGAATAGTACGAAACGCCAGTGAAATCGAGTGATTAATCGTTC

>EP77404 (+) Dm BCDNA GH12558; range -499 to 100.

TCGAGTTGTGGGTGGGTGAGCTGACAGATTCCCAAAAACAATGTCGTTGAAATATTGT
ATTGTAAACCGGGTCGAGTTATTGTAAACTCTGGTATTATATACGATTATATAATTTGT
GTTCTCTTAAAAAATGAAAGATAACAATAAAAAGGTGATCTACAGAAATCGTTAAACT
AAAAATTACTTGCAGTCTAAAACAAGTACGAAATTATGTTTTATGCGTAAACATAATAG
AATGCCCATATATATACATTTCTTCATTTTTCTTTTTGTACTTTTCTTTTATACTTT
AAAATTAAGTTGCTACAATAGTAACACTAGTTATGATCTCCTGCGCCACCTAGTTAAA
AAAAAACGACACTAGCGACACCTGGTGGATGAGTTTGTACTGTGTGCGGTATTTAGGCT
AGTGCTAAAATTTAGAAAATCTTATGGTAGTATATTTTATTGGTACGAACGCGGTACAC
CTGGGGATGTGCAACAAGTAGAAATTGCCGCATAGTTTTTTATAGCGAATCGCGAACACA
TAACTAACGGTGCATGATCAAAGTTCGTTAAAAATTAACAACAATAGTTATCGTAAGCAA

>EP77405 (+) Dm DREF; range -499 to 100.

TGCCTACGGGTGTCATGATGCCACTTGTGTCTCCACACTTGGCACACTCGATGGCTC
GATTTGCATTTGTTTATCTTTATTTTTCATTGAATTTTCGTGACGCTCACGAAATTTACA
CACCTTTTCTTCCCAACAACGAATTAAGGAAATCGCAACCAACTTCACGTCTAGGC
CAAGCGAAAATTTCCCTAGAGAAATTTCCCGGCGGAGCGAGAAATTTCCCGAGCTATCG
ATTGGTGATGCAATCAGTGTAGCGAGAATACTCAACAAATCGCATTTTTTTACGACAGTC
AGACGTATTGAAATTAAGCGGTGACTCTCATATTTGAGCAGTCTGTAAAAATAATCT
CAAATAAATGAGAGTGCAATTTGAAGCATTTAGCAACGTTTTATTGCCTTATCGATTGACG
GCGTGTGCGGTGGCAACTCTGAAGTGTACTTCTGATACAGATAAAAACTATTGACTATT
GAACCGTCTATCTATAATCGAGAAATGCGCGCTAATACACGCAATTGGGCACAGCAATCG
TTGTCGAATCTAATTCAAAACAACAAGAAGATCCCAATCCCCACAGAAGACAAGATGA

>EP77406 (+) Dm L(2)K05713_1; range -499 to 100.

ATCTGGCCGCCCATATATATAAATAGCGATGGAAAGTTCTTGCCCAATTGCGCAAGTGAA
ACTGACCTACCTAACCCAGGCCATCTCGTGTACGATGACGAGTCCGTCGGTACTTAAGT
CTTCTGCTCCGTCTGCTCTGTCTGCGGAATCGGCCAGCCAGTCAGCCGATCGAGAGCA
CAGTCAAATGTGTCTAACCTCCCCCTCGCAACAAAGATACTACATATTCATACGCCCAT
GGACCGGTGCTATCCATATGTGATTCATTACATAAGCCGGGTGCCCTCGAAACGCGTGAGG
CACTTGTGAAATGGCCTCTCTTATCAGGCGGTTAGTTCCCGAATCGATTTTCGATGGCGAG
CCGTGGAAATTCACGGAAGAGCAGCCTTGCTGGCCCGGTTCCCTATCAGCAGCACTCGCC
GCATAATTGAATAATCTGAATCTGCCGAGCGAAGAGCGGAAACAATAAAAAATATCAGAT
ACGCTGCCCGACCGCGCCAGTTACAGAACAATTCGCTGCGAACACAACGTGGGCGCAT

CTCGCAGGTGCCAAAAACGAGGTAGAAAGACAAAGACAAGCAAATGTGCGGGGGGTTTTT
>EP77407 (+) Dm L(2)K05713_2; range -499 to 100.

TGCTTATCGCATTCTTGGATAACACTTTTTCAAATAAAATACGGCATGTGTAAATAGTGT
TGAAATGAGAAAATTGTTGGCTGTACTGACATAATTGCCTACATTTAACTATATTTATTT
ATGGTGAAGTGATTAAGGATGCTTGTGAAAATTGAATTAATTCTGGTTAAGTGTCAAAAA
CTACTGTTTGCACAAAAAATAAGAATGCTCGATATTCCAAACCACTTGGTACTCAAATCA
AAACTAATTTATCCCATATGCATTAGGAAACGACAAAACTAAGGATATTACCGTGATATT
GCAAAAAAGGAAAATCGAGAACAGTAGCTGCTGCGCAGCAGAGAGTCTATCTAGCATC
TTGAGATCTGCCAATTCGTAATTAGCCGGGCCAAAACGGGGCGGATGGGTGGGAGGGCG
TGGCACAACAGCTGATGGCGCCGAGCAGGCCACAACGAAGTGCAGCAAAAGTTTTCTC
GAGCGGAAAAAAGCTGCATGCAAGTGCAGTTTTTCGAGAGCAACAGCAACTGGCAAACCA
AACGGACGAGACTCGCTACCAGTTCTCAGGTCATCAGTTCCAGGCCCGGAATCGAATTCG
>EP77408 (+) Dm FATP; range -499 to 100.

AAAACTGCAAAGTTACTCCCATTTAAATACCGGAAAATGTTATTTGCAAGGCTCGCCG
ACACTTTCTGCCGTTCTACATGTTCAATGGATTCTTGTGACAGCGCAACGAACGATATCA
GCGTTTGCCTTACAATAGCTCAAATATTGGTCATCCGAGGCATGAGCTTACAGTAAGTAA
TGTGTGAACATATGGAGCAAGACAGGTCATGCAATACAAAGAACACTCAAATTTTAA
AAACTGAAATAAAATGCAAAAATGTTTCTGCAGCACAACAGCCTGTTGGACAACTATGCG
AACAGCAATGTGATAATAAACATTGACAACTGCGCGCTCTACAGCACCATGTAAGAATT
TAAATCTCAAAACCCATTTTGAATACTAACGATCTTATTTTCTTTTCTGCTGATCTGGCAA
CGCCAAGCGGCCAGCTGATCGAAAGTCGATAACCGACGGCTCGCACGATCGACAGCGACG
TCGCCGCCAGCGGTTTTTGTCTTTTTTCTGCGCAACGGTCGCTTTTCTGTTT
GGCAATCGCCTGCGTCATCTACAGCTCCACACAATGGGCTGGATTTTTGCTGTGCTCGT
>EP77409 (+) Dm CG6756; range -499 to 100.

TCGTGGAGTCGCCCACAATATGTGATCTCATCCACAACGCCGATTCCAGGGCCTAGTTA
AACTGGAGAATCTGGACAAGATCTTGGTTACGGAAACCGATAAGTCGACTACCAGTTCCG
CTTCTGCTCCTGCTCCAGCTCCAACCTCCAGCACAGATGAGGAGAATCACCCATAGGCTG
TCCGTGTATTCTAGTGAATTCCTATAAATACATTGATTGTAATATTACAATGCATTTGTA
TTTCAATTTGTAAGTGGATGAAACCGATTTTAAATTTAAGAACTCTGTTTCTGGTCTGA
TAGAATGTAATATAGAGATCTAAATATTTATTCTGACAGTATTCTGTAAGTATAAATTC
AGGCTTTATTACAAATACATCATATTCGAACTCCTTAGTTTTTTTTTAACTATTCACAC
AATTTATTCTCTCACTGATCTTCTTCTCCATAATAAGCATTTCGAGTGCCGTTATTACT
CCATACCTATCGATGCTATCGTTTTTTCGATGTCGTGTGCTCAGCAGGCTGATATACAAT
AGAATCTAAGTTTCCCGAGTTCTAATGAAAATAGAACAATCGACGTTTAAACAATTGCCA
>EP77410 (+) Dm BCDNA GH07066; range -499 to 100.

GCCAATGTGGCCACCAAGGCTGCGGCCAATCGCGCAAGCTGCTGGCCGCCCGCAAGAAG
AAGGTCGCCGCCAAGAAGCCAGCGGCCAAGAAGTAACTTACTTTCCCCCGAGTAGAGCT
GACACACTTTTATATTATAATAAACACAAAAGTTGTATGAATTTTATTACATAATACATA
GAGTGCAGCAGTAATGCTCATTAACTCTTAGTCTTAGGCACATCATTTAGTTGGCTC
TCTTTTTGGTCTGCTTGCCTGCCGCGCTGAGCGATCCCATCCCTTATCATTCTCCCGCTC
GCGCTGATAACAGCGGCATGGCATCTGCATCTGTATCTGTGGCGGCGGCTGTAGCTTTCG
TTATCGTCCGTGCTGCTGCCGCCGATGGCGATGCCGATCTTGGTCTTCGTACACGTTCCG
ACATCCATGGGCCGCACATATACTTATTGTACACGTTAATTGGCATTTAATTAAGCGTC
GAGCGTCTGCGCGCTCTTATTGCACTGCGAACGGTCGACTGGCGCGGTTCTGCGTATCG
CGAATATACCGAATCCCTTTTGTGCGGCAAATAAAGGCTGGGAAACAAAGGATATATAT
>EP77411 (+) Dm BEST LD11166; range -499 to 100.

CCGAATACCGAGTGGTTTGAGGGATCGCTAATTGTCCGCAATGCTATCGATATTTTATTT
AATTTTAAATATGTTTAAATAACAATCATATAGAAAGTCGAAGTTAAAGATATCAGAAGT
CTGAAAGTATACTTAGAAAGCTCAATTGCTTGTATGACGCAAACTATCACATCCTTGT
AAAACGATAAATATTTGTTAAACAAATTTATATTTTAAATTTTCAAGTCTTCTTCTAGTTATCA
AGCCAGAAGTCGAATGTTTTCGGCTTAATAGAAAAATAATGTATGTTTGCATATTTGCAC
ACCTCATTCAAATTATTTTCTTGTGTAACAAAAGATAAAAGTGTAATAATTAATTTT
TTATTCTTGACCCATTATTTCTTGTGTTAATGAAAACAAATTCGTTTCTCAACGTTCC
CTTTAATAATCCATGTGAACAATCGATAGCGGCGAAACATCGATGATTGCTAGAATAAT
CGATGTGCTTCCCCGTTTCATTCGAATTTTTTCGCCGCTCGGAATAGACGTGATTTTGCC
GTCGTGACGGTGGAGGCTATTTTAAAACGGTCGCGGCGCTTGCAACAAAATTCATATC
>EP77412 (+) Dm CG10186; range -499 to 100.

CCGGATCTACAGAGGCTCCACTCCCAAGATGCAGTGGGTAGAGTGGGAAACAATCTGAA
TACCCACGATGGAGGACAGGTCACCATGCGGGGCAAGTCCAACCTTTAGGGAATTCGAGAA
TGGAAACAATTACCTTGGGAGCGGTGGCATTGGATCAGGTGGAGTAGTCGGATCTGGAGT
GGTTGCGCTGCCAACATTAACAGGCATCGCGAAACACCAGGTTTATGTAAACAGAAC
TCCCAAGGAAGAGCTGCTATCCAACGGATCCCCGCTATAGCATCGCGTAGCCTGCACTT
GAATGCCACCCGATCCTATATTGAACAACGAAATCACAGATTGTCCGTGCGAGGCGCAG
AAGGAGCTCCAGCATTGGACAGTCGCTCCTCCGTGCGGAGCAACTATTCCGGATGCTGA
GGTGGACATCAGTGATGGAGGAGAGGCCGAAAGGGAGGTGGAGGCAACGATTGCGAGG

ACCCTGCGAGGAACTCGAGTGGGATTCTTCGCCAACGTGACCACGGTTCGTCTGGCAA
GGTTCCAGGCAGAAATGCCGTAGGCATCATGCTGCATCTGGAGTGCAATGCCGGATTCAA
>EP77413 (+) Dm CG33199; range -499 to 100.

TTTCGAATACAGATTTCTGTTGGTGTGGCAACATTGACATTTGAGCGCAAAATTTAAATT
CGCTTCTAAAACGGTCACACCGTTTTGCCCTTTGGGTTTTAATCTGATATTCTTTAATTT
ATATTTTCCACTATAAAGGTTTTTAACCTACCTTTACCGACAAGTTGTCTATTGGACAC
ATATCATGAAAAAGAAAAAGTGTGCTTGGTCTGAAAAATACCTTTTCGTATTTTAAATGA
TCCCGCAATATTTTTCATGTGTACTCCCATCACTTTAAAGATGTTACATTTCCAAAGT
TTCAAATTTCTGAAAGCGTTGGAAATGCAACAAGAATTTGAAGTAAGGAAACTTCTTTTAA
ACGCTCAAAGTTTTCTGTTGATTTCTTAACAATATGAAGCATAAAAATAAAAAATACCCCT
GCTATCTCTCGCAGCAGGCAAGTGCTCCGTAGATCGATACTATCGCAGCCACTCGAAGTC
CCATCTCTAATCTCGAGTCCCTTTTCGCACTTGCCCGCTACTCACATGAGTTCTAGATCGT
TTAGTTTTCTTGGTTTTCAATTTGCTCGCCAAATTTTAGCAACGTTGCTGGTTTAAATCGGC
>EP77414 (+) Dm HDAC6; range -499 to 100.

CAGATTAGTTGCAATCCAGATTCCTAAAGTCCTATGTCAATCGCCGTAATCTTCGATTGA
AAAAGGCCGAGAGTTGCTTTTTTATGTGTTAACATTGGTAAAATCTTTCATGCCATTCCA
CATATGGTTGTTTGGAACTGTTAGGTAACCTGGATTCTTGAGCACTTGTCTCAGCCCACT
GGGCAATCAAATTCGCCTGGTGGGAGCAGCACTGGCGATCCATCTGTGCATGAATCCCGC
CAGAAGCTGCGTTGTGTGTCTACCTAGCGGGAATGCTTAAAGATTTAAATTCGTTT
TCGCAGAGCCCGCCCATCGTCACGCGACGGAGTGCGCAGCAGGCAAAGATTCAGACACGG
GCAATGGCCAGTAAATCGAAGACGGGCACGACAGGGGCGGCGACGGCGGCCGGCGGCACC
GGCAGCAGCAGCGCAGTATCAGCGCGGATTTAATGCCGCCGATCCGCGAAAGTCGAAC
AAACCGAACGCAGCGCTCTTGGAGGCGAAACGTCGAGCTCGGAACAACATGCTCAAGAAT
CAGGGCTGCGGATCGCAGGAGAGCGTCACGGATATATTCCAGAATGTGAGTGCTATCTGA
>EP77415 (+) Dm DPLD; range -499 to 100.

TCTTCTAATGAGTAGAGTCTGAAATTTAGACGCGAGAATCCATAAAAATTCCTAGTGGTTC
ATGCATTGTTGTTAAAATGTTGAATGCTGTTTTGTCTTTTCGGAACCTCATTTGGAATTCC
AAAATTTAAGGTGAAACACTATTTAATTTTAAATTTAAATTCCTTTTAAATTTACGAGTA
TGATTTCCCTCTGATTTGTAATCACAAAAATGTTTCATGGCCATTCAATTGACCATCATTTA
TACTTATTATAATCATTTATACTATTTATAAAAAATTGAAATATAACAGTTAGCAGAATCA
GTGTGACCAGCCATTGTGAGGATCAAAAACTAAACCTCCAATTCGGCTATGCCCGCGATA
CCCTGAACGAACAGGGGCGCAATGACAAAAACAACAAAAACCAGCAGCAGCAGAAGGGC
AGCGTCGTAACGAGAGAGCGGCGAGAGAAGAAGAGGAAGAGGCAACGGCAGCGGCGAGC
GCATGAACGTGAGTTTTGCGATTTGATGGTTAAATGCGTGCCTGAAGGTTGGAGTGAAGA
TTTTGAGCCGAATTCGAATCCTAGTCCCCGCCGAATAAGTGGGTCAGAATTGGAGCCGT
>EP77416 (+) Dm CG5059; range -499 to 100.

ATATGGGCCTTCCACATGCCAGATTGTCCAGTGCCCGGAGCTTTTGGCCTCACGCGAAT
TTAGACTGCGGGAACGTATGAGTTCCTGAAATTGCTTGGAAAGAGCGCAATATGATCCGC
AAAAAGACCTGTATATATCGCCAAAACTATAGTGAAGGCAATAACTTTTATTTTCGTCC
GAAATGTGGCTAAAAGTGATTTGAAACATTTGATTTGTTTTTGAACGAGATAAGAAT
AAAATAAAAGTAAATGTATATATACTTTTCATATTCATATATGCATATGCATATATTTTC
AAAAGTCAACAGAAACCAAGTTTTATCATTTTAAAAATAACCACCAATAAATTTACTTGA
TACAAGGGATGCCAGATGTAGGAAAACATAGACACGCACCTGGATTGCTACCGTTTCTCC
ATCTGGTCACACTGGACAGCAACAAAGATTTAAACTACGCATTAAGCTTGTGCGTAGAA
ACGAATCGTGTTAATTTTAGTTACAAGACAGTCGCTTCGGGAGAAGCATTAACAAAGT
TGCAATATTTTCGGAGCTCCAGCGTTGGCTTCAGTCCGAAACAGTAGTTATAGTCAAAAT
>EP77417 (+) Dm ENA; range -499 to 100.

AGTAGATGTTGTCAATTTGTAAGATATATAAGTCGTAACAATTGAATAAAATTTCCCAACGA
TATGATATCCCAATGCAGATTTAAGAATTAAAGTTTACTTTCAAAATAAACAATTTGATCT
TGTAACAGGATATTTTGTAAAACCATGTATTTGAATATACAAAATTTTGAATCATTGAA
TTGATTTTCAGAATCTAAGATTACAAAAATAAAGGGTTTTATGTCGCGGCTATTTATTATTA
ATGAGAAAACATAAATTATATCGATAAGTGGACTGTAAATCGAATTAAAAAAATTAATAA
TTGCGTACTAAATATTCCATTAGAATTCAATTTATGAATCTGAATATACATTTAAATCAA
AATAAAAAGATTCAAACGTTCTTAAGTGTGCCAGACTTGTCTATGACTCACGATGGTA
TTTTGGGGAAACAAGATTTTTGAGAGAATTCACGGATGGTCACGAGCGTTCAACGTAAAT
AGTATACCACCATCTGGGCACACTGTCGCGAAAAACGAATCGAAACGGAACGCAAAGCGG
ACACGGACTGTTTTTCCGGGAAAAACGCCGCTTTCTTTGATTTGTTTGGTGCTGTGC
>EP77418 (+) Dm PP4; range -499 to 100.

GATCTCTGTGGTCACGATCCTTTTCCGCTCGCGTTCACGATCCCGATCCCTGTTCTCTGC
TGCTCCTCGGATCCGGACTGCGATGATCCCGCTCTCCCGACTGCGGCTGCGATGCCGGT
GCTTGGATTTCTCTTGGGCATCTTTTTTAAATGAGTTTTTGGGATAAAACTTGTGAAAT
AAAATATAAACAATGCTAGCGTTGCCAGATGGAGAAAACCAACCCAGATAGCCACTAATA
ATTGCAAAAGTGCTATCGATATAAGCATTATAACATTAACACATCTCCCTCTTGCCGATA
AGTCGATTTATTTTCCAAGGGTTAGTTTTTACAACTTTAAATTTTAAATTTTCGGCTG
CAGCGTATTATAAATACACAAAAATAAATAATTTATCGATGGAATCCTTGGTGCAAGTGA

AAAGGCTTTTTAGGGTCTTCGTGGTAATGCCACTATCGAACTGAAGACTCGATGTGTC
ATTGCAAGTGCCATTACTCAATATATCGATACAAACGCAAGTAGCCAATCCAGCTCTTCG
CAGAAACCCGGTTGGCAAAAACGTTTATGTGCATTTTTTTGATTCAATCGCCAACACGAG
>EP77419 (+) Dm CG10417; range -499 to 100.
ACTTTTCGATTCTCCGTCGACTGTATCTTATAGCGGGGACTGGAGAATATCTTATATT
GGTATTTTTAATAATATTGTGGCCTACTGTTTCGATGTTTCTTACCAGAACTCAAACAAAA
ACTATCTGTAATCGAGAACCTCCCTCAAACATCAGATCCACGATACTCATCTCAGGAAT
GCGCTGGTGCATGATGGTATGCATACATAATATTCAAATGAGATGTATATTTCAAACCTG
TTTTTGCATAGTTTAATATTTATAACCAAGAAAATTATTTGTTAATTCAACGATTAAATA
TATTCAAATATCGTAATTTATTAAGATTTTCTAATTTATAGCTAGTATTTGCGGAACAG
AATTTCTGTTTTGCGTTTCATTTTTTCAGACGTTCCATTTTTCTATTTAATCAATCGTCGCT
ATTTTGACGAATATAAATGCAACATGAGAAAAATTTTACCTAAATTTTGCTGCTACTCGAT
ACATATATATATCGAGAGCAGAAAAATTTCCGATTTGATTAAATACAAAACGTTTTAGGTG
AAGATTTTCGCAAATAAGTTTAAAGTCGATTTTCATTGATATATTAACTAAGTATAGTTTTC
>EP77420 (+) Dm NRV2_1; range -499 to 100.
CAACTGAAATGGAGGCAATCGTTCAAGTCCAACCTGAAATGTAAAAATGCGCTCAGTGCCA
AAGGAAGCCATATTTTCATCGCAGCAATTAGTGGCATCATCATCATCATCATCACCGGC
ATAGTTAATTTCTCGCCTACTGGGATTTAGATTTGTACAGCAGCCAGCTCATGATAGTCA
CCGCCATCTTAGGCTTCAATTAAATGAAAATTGTGTACGCGCCGCGACTCGCGTCTTCC
ACGACGTGGAACCTGGAACCTCTGGCTGGTATGCCATCCCCTCTCATCCCCATCACCATCAC
CATCCCAATCCAAATCTCTATCCCTGTCCCCATCCCCATACCCATACCAATTCGCTTCGT
TTCGGTACCGCAGCGCGTATTTCCGCACACATATGCATAAAGTATTTGATTAAGCCTGAC
TCTTGCGTATTTCTGATTTTCAGATTTTCAGACACATAACCCCCGGTTCGGCTTGGTCTTT
CTTTGTGCAATTCAGATCAGTGTGCGCGCGGCACAGCGGTGTCAACTTGTGCTGTGCAG
CGCATATCCAAAGTGTTACAGAGTAAAACCATCAGCCTTTCCAGCCATAGACCAAAGCCA
>EP77421 (+) Dm NRV2_2; range -499 to 100.
ATGTGAATTTTTCTGGCATGCCATATAATCGCTTGCTTTTAATAGAGAGCATTGCACTACA
AACTTGAGGCACTTGCAAAATTGACTAACTTTTCGGGGGTTTTTCTCTCAGTGTGGCCCTG
GCTCTGGGATCGAACCCCGGGCAATTTGCAATGAATGCTCGACAATCGCCGGCACCGCCT
AATTAAAACGAGTGCACAAGGAGGCAGCTTTTCCACGGCAATTAGAACGCAACCCATCT
CGGTCCGGAAACCCGACCGATCCCAGATCCGGAATTGCACTCGCCGTGAATACGAAA
ACGCGGTGCTGCCAAAGGCGCCCGCCCCGCTATCCACTTTCCACTCAAAAACAAAACAAA
CACAAACTCGGCTCGAGAGAGAGAGCCGTTTCGTTTGAATCACACAAAACCGGACGCA
AAAAACCACGCCAAACAGACTCAAGCCAAAGTCGCTTAATGTTTGGCTGCGTATCGACAG
ACCTGCGATTTGGTTTTAGTCTGAAATTGGTTTTGAGCGGCGGAATAACGTGTACGGA
GTGTTTCGTAACGTGGTTCGAAACGCGTTCCGTTTGCAAACAGCAACTTGAATAGAGTTTGT
>EP77422 (+) Dm CG12207; range -499 to 100.
TTTAATCTAATAAAATCAACATCCAGTTAAACATGGTTTTTGTAAAGGGACACCACTGCG
TATGAGTGATCTGAAGTGGGAAAGTAAATTAAGTAAAGTAAACTCGGATGGTTCATCAC
ACCATGCAACCACTGTGCCTGTAATATTCTCTTCCCTGCTGGCTAGTCCAACGTGTTTG
CTATCACCATTATCACTCGAATTAGGCACAATCATCTAACGAATTCGTATGGCCCTATG
GTGAGTACTTGGAAGAGTAATTCCAGGTTGGAGAAGTGAGCAGTGGAAGCAGTGAGGCA
GTAAACCAACATCCACGAATCGAATGAGTATTTGTGTGCACTTCCAGTGCGCGATAATGC
CATTCTTCAATTCCAGCCGAAGAAACCGAAAGCCGAGAGCCAGCTGAACGCCCAAAGAG
AGTCTTCTGGAAGAGAGTCTACCTCGCCGGCGGCGGAGAATCGTCGCTCGTCGCTTGTTC
GCCAGTCATTTACGAGTCACTTGTGTTTTGAGTGTGCTTGGAGTTGGTCGCTCGCCTGC
TGCGCTCTTAGTTGTTTTGGCTAAGTTCACTTAGTTAGTGCCTTCGTTTAGCGGCGAAAA
>EP77423 (+) Dm CG17952; range -499 to 100.
AGATCCGGCACTTAGCTCCTTTTTAGCCAAATTAATTATCTACCTCAATATCAGTAGAA
AACTAGGTATTTAAGAAGTTATTTTCAGTTGTTTTGATTCATTTTATTAATATGTTTTGT
TTCTTGAAAAGTTTGGGTATTCTTCTGTCTTGAACAAATAATTTACAACCTCGATTTAAG
CGACAACCTTTGGTCTTTATAACCTACATATGTAAATAAAATGAGTACTGTTAGTCTTTGC
AAAGATCAAATACTCCAAAAAGTTTTCTATCGATTTATAATACTTGCGCATTGGTATGGT
TCGATTAATGTTTAAGGGAATGTAAAAATAAGTACAAGTACTTTTAATACTTTAAAATAA
TTAACCTTGAATACATTTTAAATTGTCTTAAAGTGCCCACTAAACCACTGTTAACGACAC
GCTGCGTGCTGTTAGGCGCCGTTTCGGCGTTAGCCAACACTGAAAAATACCAACGCAGTGG
GCCGCGCTCATTTTACAACAAAATTTTCTCATCCGCCGACAACCTAGACGCGCGTCTTTTT
TATCAAGTGATTATGCTGAATTTACGGCGTTTCAATAGCCCCATAAAGTGAAAAACTAC
>EP77424 (+) Dm CG1600; range -499 to 100.
CACTCATTTCAAATGTTTCACGCATTCCTGCGTGCCGTGTATGTGAGCACACAGTGCGG
TGCGGATGGTTTAACCAAGGGGTTAAGGATTACTAAGCTGAGTAAGCAGAGTTTTGGAGT
TAAATTTAGCAACTAAGAGTGCTGTTGGAATTTAACTTAAAGTTTACATTTTGCAATCTA
ATGTAATCAGGGATAAATGAATTTATTTGATGCTTTTTAGTAAAGGTTTAAAGAGTTTTT
TCAAACTGAGATAAAAAGGTTGATAGTATCCGTGAGTAATCTTTTACCCTATCTTTA
AAAACGAAATTTATATGTATGCTTATATGTAAACCCACGAATGGCATACAATATTATTTG

TTGGATAGATGAATTTGCGACCCCTTTGCTGGGCCCCGTGTCGCTGATGAGTGCCTGTGT
GGCTGTGTGAGAGTTCCACTCGTTCCATTTTCGTCACCGGCTTTTTTGTCTTTTAGCTGCC
GCATCGAGTGAAAGCGGCTCAGATGTTCTTTGGAAGTGCCTGGTCAAGTCGTCGAAAAAG
CGCCGAGAAGCAATTGCAGCTAAAGAAAAATCTAGCCAATTCACAAGTAAAAAGTGTAGT
>EP77425 (+) Dm CG4124; range -499 to 100.

GTTTTAAATATATATTCAAATACAATTATTTGATCGTGTGCCAGATAAATGCCTTAA
CAAAATTGCGATTCCAATGTAACCTAAATATTAAGGATATTGGGTACATCAATACTAATA
AAATATGCAATTCTGAATATCTAAAATATAAGAAATAAGTCAAACAATACATGATTTAGC
CCTGACACCTTCACAAATTTTATTTAATTGAAAAAGAGCTCAGGGTATCTATAACTTATG
CCATTATATGTGTTAGAATAAATTAAGATGAATTAATCTTAATTCAATAAATTTCTTTT
TATAGCATTTCGCTATTATCCACCGTGGATAGTTTTTGAAACTGTTAACGGGAACTAAAT
CCATTTATATTAAGTGTTTTTAAGTAAATAATTATTGTTTGTACTTTCAAAATAGGGG
TATTAATTAGATTACCATATTCGACTATGCGTTTTGGTATTTTCTAAACAACTTTTAT
TTTCAAGCAAGGAAAGGTCACACGATTTTGTGAGCCTAAGCAAAGCGCACGCAGGAGTTT
TCGGAGAGATAGAAAAATCGTCGCCAATTAAATATTTAACAAATTGTAAGGCCGATAAAC
>EP77426 (+) Dm CG10277; range -499 to 100.

GGTCGAGACCATGACGAAAACTCCTGAAGAAGATCAATCCCGTCAAGCACACCATCCAGGG
GAAAAATGTATCTCTGGATCAAGTAGCCCGAGTCATGTGATTTTAATGTTTCATAACTCA
AATGCATTATTGTTCAACACAAAAATATAAACGCACCACTGAAAAATCGTTAATTTTCTTG
GTTAATTCGAAAAGGCAAGTAGTATTTTGCACAGAACTGATTTTAACCAATTCATTGTA
TTTGTACTTCTAGAATCTTAAAACTAGTTATTAATGCTATATCTTAGTATTATATTCT
ATATGGTTTCAGGTTCTGAAGTTGAGAATTCTAAATTCTGTACAATGATCTGAAACAGTT
GCTGAGAATACTGGATTTTAATTTTTTAAATTTTGTAGTCGATAGCTATCGAAATATGGG
AGTAATCGATGTACGAAACATCGCCGTCAGGAAGCCAGCAGCAGCTATACATCGATTTA
GTTCCAGCTCTAGCCCTGTATATGTGTCTGTGTTTCGGGTGGGATGTAAATTCTAATATCC
GATAATTAGAAAAGTGAACCAAAACCCAAAGCGTTCTTATCGCGACTGTATGCTCTTTTC
>EP77427 (+) Dm RALA; range -499 to 100.

TCCCAATGTGTTTACTTCGTTTTCCACAGCCGATTTTTGTCTATTTTCACAGTAAAAA
AAATATTCACAATATTCACACGAACGCACACGCAGAAATGGCCTAAAAATATACTGTA
AGTTGGTGTAAAAAAATACCGAAACGAGTGTGCAAAGAAGCCATCTGGCGGAACGATGA
GTGCGCTTAACATGCACAGTTGTGTCTGTTAAAGTAGCAGTTTAGCGGTCACTTGTTACT
TAGCGTGTGCACCAACCATAGTTATCGGATACTTAAACCGCTCGCCAGCGAGTGCACAAC
TCGCTCGCTCGCCTATCGAGTACATCAACCAGCAAAGCGAGTACACCCACAGCCTTAGC
GATCACACCCACCTCAATATAAGACGGAACCTTATTGGTATTTTTGTGTTATTCTTAGTGA
TGCTTGTGCTTGGTATAATTGATCGATGGCAGAGCGGTACATTGGTGCACCTCTGTGGT
ATTTTTCCACTTTCACACTAGTTTCTTTCAAGCAAGCAAAACCAACGGAACCTTAATTGC
GGTGTGCGGCGAACGAGAAGAGAAACGAAAGCAGCCAATTTACTGTTGCGTTCCGATC
>EP77428 (+) Dm CG8929; range -499 to 100.

AGTGGAAGTGTGACCGTGGATCTGCTTATTATCATTTGTTAGTGGGTGTAATAAAATA
CTGCAACACCGTACTATCGATAACGTTTGCATAGCAGCAAACCTGGCGTCCACACTACAT
TCAGATCCTAAAAATTAATCATATGGTCAATTAAGGAACTGAACAATAAAAAATGAAT
TAATGCTCACCAATAACTAATAATTGATCGTTATTATTTGTTTCTGTTTAATTTAAATA
GAACTAATAACTTTTATTTTTGCAATAATTAGCAGAATCGTTAATGCATACTTAAATAA
TGTCAAAACAATATGATATGATTTAAATAGTCTAATATATAAAACATTTCCAAAACGAAT
AGTGTTTTCAACTACGAGCGCCTCTTGAAATAACACAATATTTATTATTAATATATAAA
ACTGACTCGAGTTCATCAGACTCTGAACAGTCCTTAGACTATTGAAGCCAAGCCATCGAT
TGTGCCCCGGCATATCGATACTACCAACATGGCCGTCGAGAAAAATGAAGTGAACGCAA
CGCCGTGTTTTTCATTTGCCAATAAAACGTTAACAGCTCACGAAATATCGTAAAGCGTGC
>EP77429 (+) Dm CG5288; range -499 to 100.

AATCCGTACCATACTGAAACAAACAGTTGTATATTTAATGTTTGTACATTTTAATCA
ATTAAGTATTTTAAAGTTTATCTACGAAAAAATTGATGAGCTCCCCGAAACACTTGTAC
CTTATCAGCTTTGTAAATACTTCACATTAATGGCAAAATAATAAGCAAGGTAATAACCTT
TCGCAAAGTGGATGTCAAACCACTTTTTAAAGCAGACAAAATTTGGAAACAGTTTTTT
AGAATGCTAACAAAGAAAGATTATATGCTATGAAGATGTTTGACCCATTTAACGGTAAA
GACAGCTAGTTATAAACTAACAAAGCTCTCAACAAGTTCCTACTGATACACACAGTGCAA
CATCGCTAGCTGGGAACTGGTGTTCTATAAGGTCTCCGAGCATTTATATTTAGTAATG
CTACTGATAAGGAAGTATCACTTTATTGTTTATAGTATTCGGACTAAGCAAAAACGGAA
ACGGAACGGGCCGAGTTGCTCAGTTGCTTGATGGAACGCGACGTGCTCACACCGAAAACT
AGAACTCCTCTCTGATAAGACGGCACCAAGTTAATTTGACCTCAAACAGAGAAAGATAAG
>EP77430 (+) Dm CG5455; range -499 to 100.

GCATTTTGCACAACATTTTATTACAAATTTGATGTATAATTTAATAGTGCTGAAACTCT
GTGCTCCTTTGAATATTTTATATTAATTAACATGACATCTGCACGAAAAATTTTTAAGGC
TGTTTGTAGGCTTCAAATAAGCTAGCATTTGCTATTTTCTTGATTAGTGCTCGATATAT
TTTGATATATTTGTATAAGCTACACTATGGCATATTTGAATGGATAATAAATACGCGGGC
TCCACAGCGATAAGTTGGCAGCTCCGTTGGCATTAAATGGAGCTCTCTTGATTAAATTT

TCAACGTGGGGAATTCTCTTAATGCTTTCTCTTTGCCGCATGAAAAGCTTAGCAACGCG
AACTGCTGCTAAACTTTTTGTTGACACACAGTTAGCTGTGATATTTGCCGTGAGTGTGTGT
ATGTGTGTGTGGGGTTTGGGGGGTGGGAGGGCTCTAGTTGGAGATTTCTCGAGAGCGTGT
ATTTTTGTAATAGCACAATAGTTGCTGCCGAGCGTCCAAACGCTGCGGACGCGATTTTCG
CTTCGCTCCTCTCGGATTCGCAACGCTTTTCGAAAAACCTCGCGTAACGCCAGAAGCTT
>EP77431 (+) Dm CG8468; range -499 to 100.

CAAAACACACCCAAAACTCAAATCGAAACGGAGGCAAAGTCAACAGTCACATCCATACCA
AATAGCACCTTCATCATCATCATCACAAACACCAGCAACTAGTGGTGCGCGGCATTG
CGTATACGACACAGTGTCTCGGGCCATTTTGACAGAGAGTTGCGAACGATGCCGGCTGC
TCTTGCTGCTTTCATCGCTCCAAATGCATCCGTCGCTACTCCATAGTGTGGAATTGGGGG
TCTCGGAACTAAGAAACCGATCAGATGGGCTTAGTTCCGATTAGATTCTAGTGTTCCTCA
TTCAGAACGCACTCCATGTAACCAACAAATCCGAAGAGCAACTACAAACACATTGGTAG
TTGCGCTCACACAGATACTCACGCACACTGCTAGAACGTGTTGTTGGTGCTGCTGCTGCC
GCTGCTGCTGCTGCTACTGCGGCTGTGCTGCTGCTTTCTGCCGCGCGGTTTATACTGCCA
ACACATTCTGATTTCCCTTAGTTATCTTTAGTCCGCCGCGTCGTTGCGATCGTACATGCG
GCATTTGCGATCAGGAGGCGTCTCAGCGGAAACCGCAGCCGAGTGTGTATTTCGATTTCG
>EP77432 (+) Dm CG33153; range -499 to 100.

GCAATTGTACTTGAGCCCTTCAGCAAATTTGTTATCCCATTTAACTAGATGTAATTATAG
GATTACTATAAGTTACAGCCCCGAAACGGACTGATTGCACATGGGCATTTGGCTGGCTGC
GCCGTTAAAAGCTTGGCTATGAAAAACAAATACAAACAATTAGCCAAATAACAAAAAGAA
TAGCCCGCACCAGGAACAACAACAAACAGTGGGCCACAAAAGCCAGACAGACATTGGCA
GCCGTTGCCGTCGCGTCTGCTGGCGTTTTGTAGCTTTGCGGCTCTGCCGTCGTATCGGT
TGGAATTGAGAACCGACAATGTCTATATAGATGCTATATAGCCAGACTGTGCCACTGCC
ACTGCCTCTCGCACGGCCCAAGCAGCGACGCCGCGCAGCGACGACTGCGACGGCAG
CGATGTGGTTGAAAAGATTTTGTATTTCGAAAACGGCACAAAATGCACATAAAAAATTTTC
GGTTTCGGTTTTTGTCTTAGTTGAGAGAAAATCGTCGCTTAGTTAACGTCGCCCAAGAAC
TGAAGTGGCAGTGCACCACAAACGTACGAATATACGAAACCGAGATCCAAGTCCAAATC
>EP77434 (+) Dm AEF1; range -499 to 100.

TAACCAATGGGCAGGCACATGGTGATCAGTCGAGGCTTCGCGGTCTGCACGATTTTAT
AAAACCTGCACCTGCACTTTTCTGAGCAATTGCATTTGGTCTTTAAGTACAATTTAATAA
AAAATAATGCAACGAAATTCCTATACAAAAGTTCTGCACCGGGCAGTGTGACCGTACTG
TGGCGGGAGGAAAACTCTCAAAAACGAAAGAAAACTTACATATTCCTATGTGAATGACT
TCAGTGGAAGTACGTCTATTAGCATAGAGATGGCAATTCGATATTCACGAGAAGTCACAT
TAGAAAATGATTTTATATTTAATATGGTGGGAAAAAAATAATTATAAAGATGTGCTGGCC
TAAATAAATCTGAGAATTTTCCCAAATTTGATCTCTTATACCAACTTTCCCATTTGAGTTC
GGGGCAGTCATCGTGATTCCTTCACACTCGTGATCAGTAACAGGTCCCCCATAGCTATCG
CCCATCCCCAATTGGCACTAGTTTCAATTCGCGTCTATTTTGTACGCGAAACAGTAAAAAAA
AGAAAAGAAATATTTGACTATTTTCTAACGTTTATACGCTTTTATAAATGAAGAACC
>EP77435 (+) Dm EG EG0007; range -499 to 100.

AGTGCAAGATCGCAAGAGTAATTCAATTCTAATTGTAAGCGTAATGATAAAGCAGTTGAT
TCAATTCGTATATATAGAGATTATGTGCAAATGTCGGATAACGTATGTGTGGTCTGATAC
CTTTGAATGCAATATAAAGTTGATTAACATAGGAAAGCGAATAAAAAACTTAAATAAAT
GATTGGCTTGCAATTTGAGCAAAGTTTAAATTTGCCGCGCTTTTGATGGTGTGTTGTATCA
GCTAGATGTGGTTCTGTCTCTGCTAAATGAATCGTGTCTAATTCACAGTGAATGTGTTG
GTTGATACATGGTGGTTGTATCAGCTAGGCGTGGTTCGTGTCTCCACTAAATGGACTGTG
CCAAATTCGCAAGTGTGACCATATATAATAATACCACCCAGGCCAGTGTGACCGTGCAAC
CGCCCAGCAAAAATGACACAGCCACGCAACGCGATAGTATCGCGGCCGTATAAAAAAGCG
GCGCTCACCGCCGAGCGCCAGTATTAATTTGTGACGTCAAGAGCTCCGCTTCGCCACCA
TCGAAGGCCAGCTTCGCCAAGTGTACAGCTATACATAGAAACATATATCAGGCCGACCC
>EP77436 (+) Dm CG1416; range -499 to 100.

AAAAAAATTAGGGCTAATTATTTTACTTGCAACAATACATTAAATATTTTTAGGGGTACAC
TTTTTCAGAGATTAGAGCAGACCTTATCTATTTCAAGACAAATAGCTTGAAAAGCTGTAA
AACAACTTTGTTACATCCATTATGGTGTGATTTGCGGGAATCGGCTATTACCATTTTGAA
AATTGTTTGTACAAGTTAAAAACATAAATTAAGTTTGGACGTACATAAAAAATATAA
CATTAAAAAACCTTGTATAAAAAATACAATACCACCAATACTTACTGTCCATTTTAA
ATCTGTTAAAAAATTCAGTGAACGAATACGTCTTTCGTACATAACTCCATTTAAATATCG
TCAGGAAATTTACACATCATTTCTGTTTTTTAACGGCACAAACACCTCGGACTTGGTGGC
AACGCTGCCAACATATGTGTGCACTGGCATCGATAATTTTACATCCCTATTTTGAACCG
CAGAAATCTAGAAAAATTCACCTCGCTGGCCATAGTAATTGTCCGAATTAGTTAAGCTAA
GACTGCCGGATCAAAAGTAAACCAACATCTTCCATCTTTTCATAAAATGAAGACAGTTT
>EP77437 (+) Dm EG 87B1; range -499 to 100.

TGCAATGCAGCTAGCTATATTTTGAAAAGCAACTAAGGCATAAATAAACACAGAAGTAA
TAATAATAGTAAATGGTAATTGTTGATAACAAATTCATAGGTAAACAGAGATTTATCA
ATTTGATTTCCCAAAGCATTAAGATTTTGTGCGGTTATTAGAAGTAATTGAATTATAG
AAAAAACATCCCAAAAAACAAAAATTTTGTATTAGTATATTGTGTTATTTCCCGTTTAC

GAATCCATAAAGAAGTGGTAAACAGAAACAGTAAACACAAATCGATCCCCAATATGAAC
TGTTGAAATTTCTACAACGCCGCTGTGGTGTGCTCACTCACTCGCTTTTCGCTCTGAAAGC
TCAGTTTCGCTCTCTCTCTGGGGAGCTTTTCGCTCCGTGATCATTTTGAATTTCTTTGATGG
AGGGGGGGGGGGGGTGTGGCGCCTATCGTATCTCTTAACTAACGCTAATCTGCCCT
GTTTTGCGTTTCGAATTTAGTTGCGGTTTGTGTGATTCCGGTTGGACGCTGCTCTGA
AGGACATCACTGACTTATGGATGAAAGGAGTAGCCGGACCTCGACGTGACCCCATCCAT
>EP77438 (+) Dm CG10978; range -499 to 100.

AACTAACTAGAGAAAACTGAAGTTCTACGTATGTAAGTATAACACATTTATTCTACAC
AGCATTAGCGAGGTTACACACCTAGCGAAGTCATCTCCCAATTAATAATTTCCCTAAGCG
GAGCTAGTCACCACGACCACATTGCCACTTTATTAATACTAATAACTGTTTAATAACTGT
AATAGAATAAGTTAAATAATTAATAATATGACTAATCACGTGTTGCTAATACAGTTAA
AAGGCTAATTATTTAATTTAATTAATGTTTTGTAAACAGTTTCCATGCAGATGTATTAAT
AGTTTCCATGGCAGACTTTCTGAAAATGAACATTCTAAACTTAGCGGAATTTCCCTCT
CTTTCTAACGGTTATTTGCTATGCTTTCAAGCGAAAGTAATCGATGGTAGCGAGGAGCGT
ATCGATGTGCCAGTTTTTGGTGGCAGCGATGGTATCGCACACACATCGATTCTAGTG
CCAGCCCTATTTTTGTGCAATTATTTATTAATAAAGCAACGACGTGAGCGAACGACA
CGACCCGAACGAAGGCAACGAAATGGCAACGCGCGGCGGACCAATGGTCGCGGGCACC
>EP77439 (+) Dm CG7530; range -499 to 100.

AAGGACAGGGTATAAATATTTCAAATGGTCTTGGCATTAAAGTAAGAAATTATACAAATAG
ACCATGGAATAAATAAATATTTCCGAGAGTGTGGCGAATAAGCATAGTGGTGAATTT
TCCAATGACTTGGTAGACAATAATTAATATTTATACAGACGAATCAGCATTAAAGCATG
TTTGATAATGAGCTGCAATGATTTTTAGGAAGCTATAGATCTATGTATACATATAAAGC
CTTTTTTCAAGAAGAATTGATATTCAGAATCCGCTTTTCAAGTTTCAGTGTAAGATCTCC
GATGGCGGCAACGACCACAGCATGCTAAATTAGCATTAAATCAATTCAAATGCTATATAC
TGTATATGAGAAGAATCATGCTCGCGTCGCAAGCTTCGGAGCGAGCTTTTAGTATTTT
TTTTCTCTTTCTCTCTCGCAGCGATTCCGCGACTCTTTCTTTAACGCAAATAACACAC
TCGAGGTCTGAAAATATTCAGTTGATATTTGCCGCGTTGCGAGAGGTGGAGGTGATCGC
CAGAACTTTCAGCTCAAAGTGAAATTTCCAATCCCTGTTCCGTGTGTGGCCTAGTTAGA
>EP77440 (+) Dm CG1637; range -499 to 100.

ATTTATACCCATATACCCTAATCTATATATCTATATATATTTCTTCTATGTTTATTGCT
AAGAAGGCGCTTATATGAACAAAACGATCCGCATGTTTTCAAGCATTCAATTGGGACCGA
CAAAGGATCTCGAATTGTGTGTAGTTTTATTAGCTCTTAGAGGGACTTCATTCCCCAAA
ACATTTTCATATGCTGTTATATAAAGATATTCTGCAATAATGCGTACATTTCTAATTG
ATTGATTTAATTGAATTTAGTAAATTGGTGAATGTATTAACAATAGAATAACCAATTG
AGCTGTTTTGAATTTGAAACGCTATTTTCAATTTTATTCAAACAGCTTTAGATAAATTTGT
CATTTTCACGTAATTTATTTACGTATCAAGTTCAAATCGCGCGCTCACTTATCGTTTCT
ATCGATAGTTGTGCGCAGCGTGAATCGTTACCACTGGCATTGCTGTTGCGCGGCAAG
GTCACACTGCACCCGATTGTTTTGTTGGCTGCGCTTATAAATTGCTGGATATTTCC
ATATTAGTGCTCATTTTTGTTGTTCCCGCAAGCGAATTTGTCGATTTCCCGGTTTAACT
>EP77441 (+) Dm BG DS00941; range -499 to 100.

TAAACGGAACGATCATCGTGCTCGACAATAATCGATGAATGTTATGCAAGCAACGAGCC
TTTCCTTACACATTTCCGCTTCTGACCACCGATCCCGTCCAGCAACGAGACCGAGTCA
AGGTCAGTCAGCTAAGGTAGTGCAAATACATGTATGTATAAGTGGACAGCTAGTGCCTGC
AAAATCGAATTCATTACGTATTCGCCCCATTGTGCGGTGCTCAAGTGGGCAAACTAAA
CTATTGAACCCAGCGGCGCTGTCAGCGGTTCTAATGACGCCGCACTCCGTGTACCGCTTG
ACCCCGCGCCCGCAGCACTTTTCGCGGTGAAGGGGGGTAAACAGTAGTTTAGTTCACTG
GCTCCGGCGACTTTACGCTCTCCGGATACCTATTTGTTGCTCAGGTTCTTTTCGCTG
CTGGCGCTCGCAAGGTGCGTGCTGTCCGCTTCGCAGTCGCTGCCGACTTTCAAGTCAGCA
GCGCTGCCCGAGTCCGTAGTCTGAGACCGTCGGACTTACCATACAGTCGACGCTCCAA
TAGCTTCCGCGCTACAACGATTCAACGATTGAACCATTCGGGATCCATTCCTCGATTTC
>EP77442 (+) Dm CG1213; range -499 to 100.

TGTATGTTTTAGTTGACCAGGACCGAAGTGGGCGGTGCGCCTTTTGCCGGCGAGTCGG
CGAAGCAAACAAATTGAGATTGGGGCATAGTTTTCGTGCGACCTCCTTATCACATTTAAT
ATGTGGGCATACTCGTACGTATATGGGCCAGTTCAAGTGCAAAATGCACACAAATGGCGC
GATTCCAAACGAACAACAGCGGAATACAGAGATTTGATTGATGGCCAAGGCAGAGAGA
GTTTCGATCGAGAGATGGCAGCTCCGATTATAGAATAGTATAATATACTTGTAGTACTAT
ATGCTATGGTATGGTATGGTATAGCCTATAAATGGGTTTGCCGTGAATCGGGAGGCGCTT
CCCTGATAAGATAATGCACGTGTAGGAGCACTCGTCAAGTCGAGTGTCAGTGAGCATTAT
TGGACGTGTATGGATTTGAAAGCCTGCCATATAAGGTGGAAAATCTTTAAATTCGCGCG
ATGCGACTATTCAAACAGCATTACAGTTCTCCAGTTCCCGGACTGCGTGGTGTAAAT
TCATTTGCAGATCCTACTCGAGTGGGATTTACTGCGATTCCAAGGATATTTTCTGTAAG
>EP77443 (+) Dm EG BACR7A4; range -499 to 100.

TATATTTGGCGCAAATCGAACTGCAGCCCTGGTCGTGAGCGATGGCAGTGCGGAAAATC
ATCGCACGAAGATGCCATGGCAACAAGGACCAAAAAATACCAAAACCACACAGCAGAG
ACGGCGTCGGCGCGGTGCGAGCAAGACGGCAGTCGCGCAGAGAGAGTGCGTGGCACTTT

AGCCAGGGCTGGGCAAACCAAAATTGGAACAGCGAAAAATACCTTCGAAATTTGCAAG
CTGAGTGTGACAAGAATAAATAGTTCGGCCAACAAATCGCTTCACAGTGAAAAAGTGCAA
GCAAAACAAAAAGTGAGAAGTGC GCGATGTGCCATCCCTGGTGTAACACGCACACACACA
CACACACACGCGCAGGCGGCACACAGGTGAGCACCAGTAGCGCAGTCGACAGCAGCAGCG
GCGCAGGCAGCGGCAGAGGCAGAGCGCCAGAGCAGATACTTCAGTTTGCCTGATTGTG
CCGATTGAGATTGAGTTTCACTTCCAGATCACAACCCGAATCGGAGCCGCCAGTGTGTGC
CAGACGCAACGCAACGGAACGGAACGCAAGGCAACGTCTACGTACGCAAAATCACGTCTGC
>EP77444 (+) Dm CG7955; range -499 to 100.

GTCCGGCCAGCTGAAATATATCGCAGCGGAGGTGCCGACGGGCAGGGGTGATACGCCGT
GAGGAATACTACCAGGTAGTTGACGGATTCTATGTGGGCACATTACAGCAACTTGGT
GGCGTCCACGGCCAAAAATCCGATTGGGGCAGGCGTCCGAGACTATCAGACCGAATAG
CGACATTTTCGAGCGGTGGACTATTCCAGAATTGATATGCCCCGCTTTGTTGGGGGAGGA
GATGTTATGGAGATGAGCAAAAAGGAACACTCTTATCGATGCTTTCTTTCTAATGGTGT
ACAGCCCACTACGTTTCTAACAAAAAATATATTGAAGTATATTGGAATTTGTTGCTTGC
ATATGTTCTGACAGTTGATGCATATCCAAAATCCTAAAAAAGATTTTTTTTTAAATTT
TAAATGGAACAGTTTCAAGCGACTGCTACTTGGCTTGCCATTACAGCGATACGGCAACT
CCAAACAGCTGACGCTGCCATGCGAATGCTGATATCGTAGCAAAAACACAGGGACGGTGC
GAAAGAAGAGGGATTTTATTTTGTTCGCTGGCAATTGAGTAATGGCCGACTCCTTC
>EP77445 (+) Dm BEST GH02921; range -499 to 100.

CTCCTAATTATTTTCAAAGATTTTATGTATCTGGCTACAAAAAAGATTGGTAATGTTTA
ATTTTGATATTTTCAAATATTCGATTATTATGTTTTACAGAAATTGTTTTACAGAGG
GTTTGCAATGTTTGAATGTGAAAATTCACCTCTCTGTTAATAAAGTGGGTTTGCCAGATT
TTTTAATGGATTGGCCCGTATGGACTTACAGATATCGTCCGACCCAAGATATTTAGCCC
TAGGAGAAGAGGGTAAGTATCATCTGCATTCTGTTGGCGTGGGAAGTTCCCTGATGAGCA
ACGCATAAAGAGCGGACCCAAACATTGAGAGCGGGCTTTTCGCCAGTATGGGTGTGCCCA
AAACCAGACCTGAGATAAAACCCAGACTTGCACCTCTTAATGCTGGTGTGCTTCTCAG
GTTGAACCATTCTCTGTGAGAGAACCGCTGATAAGCTGTAACCTAGAGCTCGATCGCATT
CCAGTTTATAGCCACATTCAGTGTGTTCTCGGCAGGCGCTCTGTCAGCGTATCGTTCTTC
CAAGTACAGTGTATAGTACAGTGAAGATATAACCATGGAAACCGCACTTTTTTTTACC
>EP77446 (+) Dm CG17370; range -499 to 100.

GGATTTGCAGCTATACGCAAAACAAAGTGGCCTATCGATATTTTGGATAAGTTCTATTG
CCAATTTTCCAATAAAAATAAAATTCACCTTGAATGTTAAAAGTAATTTAGTTTCAGTG
TTTACATAATGTTCAAATAACCTTTTGAATGTTTATTATGAAAGTTAAAAATTAATAATTT
AGATATTCTAACTAATAATTATCCCAATGTTTCAGCTATAATCACCATATTTAAAGTAG
ATTTCAATTTTAAAGTATAAATTTGTGGTTGTTTACATTATTTTAAATGTCTATTTAATT
ATTACTATGAAAGTGGGTAATTGAAAATTAGGATATTCAGGTTTTTGATTTACTTTGGC
TATGATTTTCCAATAATTTAAATCTGTAATGTAAACAGTTTGAATGTGACCTTAAT
AGTTTCATGCTTTGTTTCTTCTGCGAACGGTCACACTGTTGCGCAGGCGAAAATGG
CCTAAAGCGTGAAATGTTTAAATCGTTGTTGTTTCTCCTCCGCAATAGTTACTAATAGAA
ACAAATGCAAAATGGCTGTCTAACGTTTAAAGTGCAGCGACCGCCGAAGATCGTGAAATA
>EP77447 (+) Dm EG 8D8; range -499 to 100.

AAGAACAAGAAGAGAACTTTGAAATGAGCAGCTTCTTCTTATTATTGATCCTCTTTT
CCGTTATGTACAGCACACCCTCGCAAAAAGGCACAAGCTGACGATCTAATTTGGCAAAAG
TATTGCAATACAAATAAGTTAATTCCAAAGTCAGAAATTAAATGGCAGCTATAAAGA
ATATAGGTATGAGAATATTACGTTTAAAGATTGTAATAATATTACAAAGATCAAATCTAA
TCAAATATCAAATATATGAACATTTGCGATGTAAGGTGCATGCCAAATATAAATTTGATA
AAATCAACGTAGTTTTAGATTTTATTTAATATAATTTTTAAATATTTTCATTAATCTTAG
CTGTTAATTTAATAGTAATAATATCAATTGATAATTCGATAGCCGATAGTCACAGTTGGC
CGGCGATGATTGTATCGATAGTATCGAGTGCCAATCGATTGCTGTTACAGCTGTTGCGGC
ATATGTGTGGGTGGGATTTTATCATAGCAAGGAAAATTACGAGTTTTGCGGATATAGGAT
TTTACATAAGTTTGCCATGCACACGCACTAGCGCCACAAATCGAGATCGGATTGATCGAT
>EP77448 (+) Dm L(2)34FA; range -499 to 100.

ATCAGTTATCAGTTGTGTCGTACAAAAGGGTATTTGTTTAAAAATATTATAAAAAATAC
ATAAAATATGTTATAGAGCCTTGCTAAGTTAGGAAAATAATTGCCTCAGTAATTAACTA
TAAACAATAACTAGAAGATATGCTAGTTTTCTACGCTATTTTAAAGTACCACCACTTATA
GAAAATGATCCCTATGAGATCGGTTACTACTGATAGGATTACGAGATTGGTGTATTATA
CACATCCATTGCAAGATTTCCACCACGCCCCACTGATAAGTTTTAATTGCCCGTTTCGATA
AGAAGAGATGTGCTGTTCTATTACACTCGAAAGGGTGGAGGAGAGGGAGCAAGCACGCC
GATCGCATGCTGCTGATAAGAGGGTATCAGTACCAGGTAGCACCCATATCGATGCCGATG
CCAACGCAGACGCTGGCAGAGCGATCGGTTGCCCGCCGCGCAGAGGCTTCTCTATAGCAT
CCGATCCTGAACGGCGTTCACTTCACGCTTTGCCCTTCGCTGAATTCGGTCTGTTTGTCTG
TCGTGGTTCTCGAGCGAAAGAAAGAGTGGGAGTATAGAAAATAGACGGCAATCGATTTGC
>EP77449 (+) Dm CG2269; range -499 to 100.

TAGTATCAATAGTTCGTTCTACTGAACGTAAGAATCATATACTACTAAGTTCGAATGAAG
TCTTATAATGCTGTTATGTTACATTTTTTATAAGAAATTGTGGATTGCAATTGTGGTGAA

AAC TTGGATTGCTTGTTCATTAATAATAATTAGTAAC TATAAAATATTTTAATTTTCCA
ATCGATTTATTGTAGAATGCAAAATTTATTAGATCAAAAAAATGTTTTCTTAATATTTA
ATTATTATTTTGCAACAGTTATTAGTAGAGACATAATATCATTTTGTATATATTCGAAGA
AATTTTTGCATACACTTTAACTATTTCTAAGAATTTTGTTCAGTGTCTTCCCGAACGAAG
CTCGGCTGCAGCTAAAAGCTTTCTCTCCGCGACTCCACGCTCCCGTCTCGCGAGGACG
AGAGGCGCTCGGCGAGCTTCGGGTGCCGTCCGTCTCGCGGGTCTGTATAAAGCATGGA
AGCTCCAGAGACTGGCGACACTCTTGGTTCCGCTTGGCTGAGCACAGAGGTGGGTACAG
TGGCTACTGGCTGGCAGTGACGAGCGCTTCTTTGTGTTGCTGGCGTAGGCGTGACGCCA
>EP77450 (+) Dm PSF1; range -499 to 100.

GC GCCATTTCGATATTTTCGATGTTTGGAGAGCAAATTTTCGATATAACTTTAAAATAATA
AAAATATTAGCAATTTTAAATGTTTTTCTCAAATAGGTATAGTTACCTTCCAATATTCTA
GAGGATCTGTATTTTCTCTGAGTACTTCGGATTA AAAAGCATTACAAAATTTTCAATG
TCCTACGAGATGGAAGCTTATATCGCGTATCAAATGCTTTCAGTATATCGCGAAATCCAT
TGTCCTCCACTACTGAAAATGTGCGCATATCAGTGGCTATGTACATACTTCATGATAACT
CGCCGAGTTCTGCTATCCGACGAGAAGCTCGAGTCGTAGCTTGGAGTCACACATTA AAAC
TTTCCACATTGTGAATATTTTCGGGTCTTACCATCAGTTGATTTAACAAAATGAACAGC
ACTATCGATAGCGACAAA AAACCATAGTAGTGGCTCAGAAAAGTAAATATCCGATACCT
CGATAATATCGATTATCCCGACTAGTTCTATTTTACAAAAGATGCAGCAATATTAACA
AAGTCATTTATAATTTATTATTATTTAAACAATATAGATCCTTTTAAAAAACATTGAGCT
>EP77451 (+) Dm CG17544; range -499 to 100.

AAGAAGAACCTGGGCCAGCTCTCATCGACCCACTTCCACACCCCCACCGCAGCCCCCGCC
AACTAACGCTATTTCAGCATACATCCCCAAGAGAGAGGGCATAAGGTACACAGAGAAAAAT
TATAACAAGAGTAAAAGAAGAGTAGAAGAAAATATGGAATACTTTAAATAACTAATAAT
ACCAACTAGGGATTATTTACAAAATATAATAATAATAAAATAAAATAACATTAATAAAA
TAAAAATAACATTTATGGTGGCTTTGAGGGATGTCAATATGTGCATTTCTACCAAAAAT
ATATACCTCAAGCTCTTTATGAGAAGAAGTAGCCTGCATCCACACCAATTGGTAGATTA
AGTACTGTTACTTTTCGATAAGCATCTGTTCTGTTTTCTCCCTGTGCATGTGGGACTCGCC
CCTATGAAAGACCGTAGGGTTCCTACTATTGGTATTGCTGTGAATCAGGCGGCGTTAT
TCTCGCTCTGCTTCGCTCATTCACTTTCCATCAGTTGGCCGTGTGCGTTCTGTTTTTCCC
CAATTTCTCAGTTCTTTCTCGCTGCCCGGATTTCGATTCTCAGTTCTCTCGACGGTCGTGT
>EP77452 (+) Dm CG4829; range -499 to 100.

GATACTATAATTCAAAATACAATTTAATTAATACCTAAATGTATATTTAATTTTAAATAT
GAGATTATGGGAAGGGATATAATATGAATGCATGTAATATATGTTTAAAAACATGTT
ATTTTTTGTATAATATTTGAGCTGTTTAAATGAATTTGTTATTTACTTAAAGAATTGCTTT
TGGTTGCTTAGCCTCTACAGACATTTTAAACATAAGCTGATCATCTGCAATGACTTAGCTC
TCGCACTAAAATATGTTTGCTTAAATAATTA AAATCTTAAGTAATTAGGTGTTTCAAAG
TTTTGTGCATTTGTTACTATAGAATAAATTCCTTATCAGTTTTGATTACCTTCAAAGGC
AGTTTTGCTAGTACTACAACTCACAAGTGTGAGTGCAATTGTGCGGAATCAAGCCAGAT
GGGCATCGCTCGCTCTGCCCGCTCGCTGCAAAACGCTGCGCCAGCGTCGTGTCATCGT
TAGCGGCCGTTCTTAATTCAGTTGACCAACAGACGACGACGTCGACAGCGGACACG
CGACTAAAAAATATTGCTAAAAAGAAGTTAAATATATAATTGAAAATTATAGAATTCCCA
>EP77453 (+) Dm CG17018; range -499 to 100.

TCAGTTATTAGTCGATTTGACAAAAACTTTTTGCCACGCCCACTGTAACGCCAAGAAGCC
GCCGAAGTGGTCACGCCACACATTTGAACAATTTTAAATTACTTCTCATTTTATCCCC
AATATCTATCGATATCCCAAAAAATGATAAAATTTTCGCGTTTGCAATTCATACTAGCTG
AGTAAAGGGTATCTGATAGTTGGGGA AAACGACTATAGCATTCTCTCTTGTGTATATCT
GTAAGTTTCATTGGATGAATTTCCCTCCCAATTTTCTTTTTTTATTTTTTTTTTGT
TTTGTGTAACAAGGTGCTTGTAAAGAACTACAATTGAGCCAAGACAATTTTATAAAAC
TACAAAAGAAAAATATTTAATCAAAATAATAAAATTTAATTAACCCCAAACCTTTTCA
ATCACCCTCCAGTGCCATTTGCCCGCCACCTTCCAGCCTCCACACAAGTCATCAATGTTTT
CTACACACGTAGCCTCCTCAGTTGTTTAAAGGATCACAAAGTCTAAGCTTCGCATGTGCC
GTGTTGTTTTAAGTGAATTTTGAGTTTTATTGTGCTAAATTATATAATTAGTTCATATAC
>EP77454 (+) Dm CG6151; range -499 to 100.

AATCGATTTTAAATTTACGGACTTAGAAATTTATGCAAATCTAAAAATAAATTAATTTTG
ATTGATTTGAATAGAGATAGTTGTTTCAAGTTTAGGAGTTAGGTGAACGATCTGAGATCGA
AGTGAATTTTCTAAAGATGCCGCTGCATATTGAACGGTATAAAAGCTTTCAATGTACAC
AAATTTGCCTAACATTTGCTAAGAGAACC GAAAATATTGTTTAATATCATAATCGAACA
AAAACCAATTTACAAGTTTAGACTGTAGTTTTTTCATTACCTAAAAAAGTATTTGTGTAA
TTATTTGAATGTTTGAACCCAAAACAAGAAAATACAAATAATTATGAAAAAAGTAAGAA
GTTGACTAATTGCAATATAAATTTAAAAATTA AAAATGTTGTAGTGAATCCAGGATACC
AGGAAACTAGTTCCATTCCGCTCCGATAACTTCCGAGTATCGATAGGCTCTATCGGCCAT
CAGAATCGCGATCTAGTTCCGTTTCGCGTGACGAGACGACGAAAGTACAACAGGATTTTTT
TCGTTCCGTGTGACGTGAAAAGTGCAAATAGTAATTGTTTGAATTAGTTTAAGCCTAGCT
>EP77455 (+) Dm RRM3; range -499 to 100.

AATGCCTCGGGAACGAGAATTTCTTACCATTGGAAGTGAAGAAGAAATGGTGATATAAGCA

ACAAAACAGAACATATATAGGTACTTTGGAGACTTTTATATCCCTGGTTAAACCTTTCAA
ATTCAAGCTTTTCATTTATTTGCGAAAACTAAACCAATATAGAGTTAGTTGATGATTATT
TTTAATAATTCCGACAAAAGAACTACTTGCAATCCATAACTCAGAAGTCGCTCTTAGTAA
AAAATCACAGCTGATAAATTCGCTTCACCTGACAACCCTACCGTTTGACCGGTGCGGATA
CACTGAAATATCAGTGCTGCTCAATTGGGAAAGCTAAATTTTTTCGCCGGCTGTGCGAAT
AAAAGCAAGGCAAGTGAGAGAACTGATTTAAACCCCTTATCGGCCGATTCTGAGCAGGT
CGGGGCGATAATAAGAATATAAGAATACATATACATAAGCTGAATAAGCAAAGCAACCAC
TGACAATTCGATCGCTTTTCAGTCGAATCAGCGCAGTTGAACAATGAAAAGTCAACTCA
TTGCGCATTTTTAATTATCGCGACTATAGTCGAATAAGCGGAGCAAAAGGAGTAGAGGG
>EP77456 (+) Dm CG6327; range -499 to 100.

CATTTTCCCAATAAAAAATCGTTCAGTTCTGAAATGAGTCATTAAATCAAAGCTATGCC
GTTTTCCCTACGCGGTTTTATCATAGAATTAGTAAGCGTTATCGTTTGCAACATGTAATG
TATGTTTGTGCCTTATATGTCGGCGCCTAATAACTCGACCGGAAGTATTCTGTAGCCGA
CCTGTGCGCCATAAAATCCCCAGCCAGATTTCCCTTTTCTGTCTCAAGGAAAAGTGC
AGTGAGATATGACAGTGAATCGGCGGAGGTAGGGGAGGGGGGGGGGTTGTAAATTT
GATTCAAATCGACAGCGGTAGCGTTATAACGGAATGCCCCTTGACAAGCGCTCTCTCT
CTCTCTCTCTCTCTTTTCCCGAGCTCTTTCCCTCTCTCCCACTCCCTAACTCTCTCT
TCTTTCACTCAGCGTACTTCGGGAAAATCGGTCTGGGAATCGGGGGTATTACTCGTCGCT
ATAGCGCTAAGGTTTGGCATTCTTGTCTGTTTGTCAAACCGTGCGGTTGATTGTGCGAA
CTTTTGAATTCGGGAAAATATAGTATTGATCGAATTCGAAGCTAGTAGAAATCTGCGATT
>EP77457 (+) Dm CG10960; range -499 to 100.

CCACATATTTTCAGTGACGTGATAAAATCCATACTCTACCTATGAGTTTACCAATATTT
GTGACGTCAACGAAACGTTTATCGTACTTAAAGCGGTTTGGAATTTAGAATAAGCCGT
AACCGCAAAAACAAATTAAGAGATGAAAGTACAACAACAACTACATATGCAAAGGG
GGAGATGAAAGAGAGAATAAGAATATGAGCGTAAATTTCCCAAAGCAAAAACAAAGTACT
ACGCAGCACGGAATAAATCACTTCTGTTTTGAATTGGCCTAACATATTTTTTCAACCT
AATAGGCGTTATTATACCTCTTAATTATTACAGAGCCTTTTGGTATTTAAGAGAATATC
TCTCTTATACCATCAAAGAATGAATAGCCATAAACAGCACGTATTTTCTCTGTGCATC
GGTGTATTTGGAGTGCTTTTCTGCCGCTGTGCCGTGCGAACGTGACGAGGGAGGCCCG
TCTATATCAATGCTATCAGTCGTTTTGCGAATTCGAGGCGCGCGTTCTGTTCCAGAAG
CCCGCAGGAGGATTCCATTGGAACGAACCACTGATTTTGTGCTACATGTCCAAGTAACGG
>EP77458 (+) Dm PR-SET7; range -499 to 100.

AGAAGAGCTGAGTGCCGCTGGAGGAGCATCCGCCGAACCAATGTGTTTGGAACATTAA
GCCACTATCCGTTCAATGTGAAATCTATTGTAACTAGCAAAAAATGCTACAAAAATGTA
AAAAAAATTGTTGTAAACGGTTAATAAAACACAGGATTTTTATGAATTACTTAAGTGTCT
TTTTTTAATATCCAAGAAGAGTATTTTAAATATTTAAATAGTGAAATAATAGAGTTGTT
TCAGATACCATTTACATGAGGTCAATAGAAAATGTATGTAATAAATCCAAAACCTTCGTC
TTTTTCTAATGGTACCATTAGACCACTTAGATATAAATAATTATATTTAGTCAAATTGA
TTTAACATATCTTTTTCACTTAATACTTTAGTACTGCCAACACAGCTTTAAAACATGC
TGAAAATATGAAAATATACTGAATTTGGTATTACAAAATGAGGCCGCATACACGAGAGGT
GAAAGCAGATGCGCAATCTGGTAACACTAACCGACGCAAAAAAGAAAGAACCAAAAAAGT
TTGCGGAAAAGTGCAACAATTAATTTCCCCCGCCATTGAAATGCTGCCATGCATAAAGTC
>EP77459 (+) Dm CG1441; range -499 to 100.

TCTGCTCGAGTCTCTCTCGGATTTCGGAGAACTATGCGTGCACCGAAAAAAATTCATATA
AAATGGAAATCTGTTTAGCATAATATTACTCTATATCCTACAAATTAATAATATTTT
ACAATAATAAGCAACGAATTTTTTTTTATGATTTGTTTCAATAAAAAATAAGCATAAACA
AATACTTCCAAGATAATAAATCAATAGTAGGCATATTTGAAAAATTTACATATTTTGC
ATTACATATTTCCGATCTTTATCCGTAGAATCTTCATCGCACGTACAAAAGTCCGCCACA
AAAATGTGCACATCGTTTTGACCCGAGATGGAGCGGCTTTTTGTGCGGTGTGTTAGCTTG
GAAACTAGCTACCGAGTCTCGGATCTGTCATCTGTGTGCGCCAAAGTGGCCGATGC
GATACATAGTTTGGCCCAAAGTTGTTTTCTGTTTTATTTCTATTAGGTTGGCTGGGAGTG
CGAGACTCTTTTCTGTGATCAGTTTGTGTTAGCATTGCGTGAGCGCGGGTCAACAGTATC
TGAATCTGAAACTGAACTGAATCCGCAAAGTATCCAAGTATCTGCGTTAAAGGGTCTGC
>EP77460 (+) Dm CG6921; range -499 to 100.

TTTCGTTTTCTTTTGGCGCTCTTTTGGCATAGGATCTGCATGTTTTTTGGCCAACCG
GGAAAGGGTTAATAAATCTGTTCAAAATAAACCAAGAAAAAGCATGGCTTATCTGCTGCT
GTTAGCAGTTTTGCTTTCTTTCTGCCACAGACATTCAATTTAATGGCTTCAAACCTTGA
CCTTAGCACCAGAAAGCACAAAAAATCAGTAAAGATAAAACCAAAAGTAAATGTTTCTA
AAGCAAAAATAAATAAAAAAAGAAACCGCCGCGCAACTTAAATTGGCCATT
AACGCAACTTCGACTTGATCGTATCGAACCCGGCCGAGTGACGCAAAAAATCAACTAAAA
AAAAAGGTTAAGTATACGCCGTGCGGGCCGTGCCGCGACTGCGTGCCAGCGTCGCCAGC
GACGGCGCGTCAAATGTTGGCCGGCCTGCGAAGCGCGTTCAATTTGTTTATTATACAG
CCGAGCGGGTAGAACTCCATATTAGTGTCTTCTGGCGTTTGGCGCAGTCGAGTCCGAGT
CCGAGTCCGAATCCGAATTCGAGTTTCGAGTCCGTAACTGTAAGTGAATCTTCAGGCTA
>EP77461 (+) Dm CTF5; range -499 to 100.

TAATTTAAATTATAATACAAGAAATTTTCGAAAAGACTTACCGTGACCTAAGCTATTTTG
ACAAGCTATTCCAATCAAACTTAAACAAGAAAAAGTTTCGTATTTTCCATTATTAAGAA
CTATCCAGCATAAACAGGATATGTTAACTATAAAGTTTTTCTCGTCCGAGAACTCATAT
ACAATAGAATATAGGGTCCTTTGTGTTTTATGTTGGCGATAAATCTCATTGACGCACAAT
TACTTTTGAATTATAAGTTTTTATCTCTCATTCTATGACCTCAGTATTGCATATAATT
TTATAACATTTGAATAAAAGAAACGTCATTTTCAATTTGCAATCACAATTGAATAGTATA
CACTTTCTTATATAAGGTAAGCATTTCAAAAAACCGCTCTATGTTGGTTTGGTAGTTTT
GGTATATTTAGTTAGCATATTTTGGCACATTTTGTCTATTGCAATCGTGAAATCGATAG
TGCTGTCGCCGTATCAACAGTGTTATCGGAGACGGCTTGTGTAATAAAAAACAAAAATTGA
ATTAAAAATTTCCGTAAATGCAGGGCAGTAACCTTGAATCGAATAAGAATTCAGATTTCCG
>EP77462 (+) Dm CG1814; range -499 to 100.

ATAACGCCATGTGGAACCTTATACCAGAAAAGCTGTAATACTCTTTTGAATTACCAAAAAAC
GGCGGCAATCTTGCCGATTAGTAACGGATAAATAGCCGATGTTTTTCCGTTAAATTTAA
ACTAGTAATAAATATAACAATAAATTCAAATGCTAATAACATAAATACGCCCTTAATAAATA
AATATCAATAATAAATAAGAATAACACAATTGCTTAATCTTGTAGCGTCAAGCAATTTTA
ACTTCTTATTTTAATGTTTTATCGTAAAGATGTTTCCGCAAAGGTAATTTATTATTAACCT
ATTATATAATATTTACAATTTTTTAAATGTTGGGTTCAATAATTTGAATATGCATATGGC
CACAGTAGTTCCAACCGCAGTGCGTATTTTTTGGGGGCCCTCCGTCCGGTCACACCCCG
CCCCATCCACATGCAGCCCACTCCGCCCCACATAGTGTACATAACAAACGGGCTTAATT
GGCAATTTAGCAAGCAGTCAGTTAAATGTGCGCGGCAGGCAGTCCCATCGTCAGTGCTCT
CCTTCGGCAGAAATGTGCTCTGCGAGCTGGTGGTGTCTCCGGAGCTGGGACCCCATCTC
>EP77463 (+) Dm CG31650; range -499 to 100.

GTCCTGGAATGCACACGCACACCCAGTGGGCTCAAGTGTCTTTTGCCTGTTTGGGGC
ACACAAAATGAACGTGAATTATGATCAAATTTGAAATAAATAAACGCGCGGCTCCAAAT
GATTTTTATGCCACACAGCTGTCGCAAAATGATGTCATTTGAATTTAATCAACTTCGTTT
GCCCACTTTTTTTTTAGATGTTTTTCACTTTTTTCTTGTGCTTTTAACTGCACAGCA
CTGTGTTGGTGTTTTTCTCTTAAAGAGCTCACCTGCTAAATTAACGAGGCTTTAGTTTAG
CAATAATGCGCTTTTCGCCAATTTGTGCAATTTATTTTCTTTTATTCTCTGTAATGTAAG
TCAGGGCTGGCGCGTAGCAAACTGCTGTAAAGTTAACAGCAAGGTGGGCAGTGTGGT
AGGGCGTGGAACACCAGGGCTGCACAGATGCTAAACCCAAAAATCGATGGGCTAACATT
TATTTTTCGCTGACGGTCACATTGTCTGCATTTTCTGTTTCTTGGTGTACGCAATAAAT
AAACGAATTTTTATGTGAACATGTATTAATATGTATAGGTAAATAAATTAATTTCCATGC
>EP77464 (+) Dm CG32067; range -499 to 100.

AGAAATTACAATTATTGTAAGCTAAATACAAATAAAAAATAAAAAATAACTACAAATGC
ATTGTAATTCAGTCGGCATCAGTTTCAGTGTGTATGTGTGTTTGAATTTCTATGCTAAAT
GTAAAAACAGTATAAGAATATAACAGTTTTTTAAACCAAAATCGACTGGTGTGTTGATTGTTT
ATTTGGGAGGCTTGAATCGCCAAATTAATAAATTGATTTTTTAAAGTCAGTTCCAGCAATTT
TAAACTTATTTGTTATGTAATGCAATAATACATTATTAACATTTTCGGCCAATTAATAT
TTTGTATAGATTATACAGCTTTTAAATACTTAATTTTAAATATTCAATTAGATATTCAA
CTTATTTGTTCAAATTCAAAAGAACCATTTTTTCAATACAAATTTTGAACATTTATCGCA
CTGCTTGGCCTATCGATATGTATCGACTTTCGCCACCGCTGGCGCACACACATGCAC
AAGCACGCCCACTTCTCTTAATTTAGCCAAAGCCAAATAGCAAAAAGAACTAAACCAGCT
TTTTTGGCCCCCATTTGTGTTGTTGGTGTCTGTGCGAATAAAAGGCCACGCGATGA
>EP77465 (+) Dm DYB; range -499 to 100.

TACGCCTGTATTACATGCAGTTAAAAGCACAAAGTAGAGCTGTGAAATTATATGTTATGCT
TTAAATGGATTTTCTGTCTATCTAGATGTAGTTTGTGTCACAGCTCTCGTCTTTAAATA
AATTTAATTTAGTATAATCAAACCTTATAGAATTTGTAATTTTAGGCTATTTTTACATCCT
GTTTTACTTAGCGAAGTTACAAACCTAACATGCCCTTCATATTAAGCAAAAAATCACACC
AGTTACCGTTGCCACCTTGGTAAAGCAGTTTTTACTGCCACCTAAAATTTTCTATATATA
TCACGTAATATGAACATTTTTGATATTTTTGACGAAATTAACATTATAGATCCAATCAGC
TTATTGCCTGTATCAATTTCTGATCTGTGTGCCAAGACTGTAATTTCAAATTAGAAGCTC
GTTGGACCTGTGCATTTTTTGTAGTACGAATTCAATTGGGAGCCCTTCGTCTGTGTTAAC
ACTGTCCAACGATTTTGTGTTGCTGGCTTGTGGGTGTCGAAGCAGTGTGCGGGCGCAAT
GTTGGAAGTGGTTTTTGGGTAACAAAATCCGTTGATAAGATATTCGCACGGAGCTAATC
>EP77466 (+) Dm CG32280; range -499 to 100.

TTGCTGTTGTAGGTGAGTTCACACACTGGACACTTGTGTTTTGAGCACTGATGCTTCTCC
AGATGGTGTGTCAGCAGGAATTTCCCGCCGACGCCAGGCACTTGTAGTTCTTGTCCAGG
TGCTCTTCTGGTAGTGCTGTGCGAGCAAGCGCAAGCTGGTGAAGCTGCGGGCTCCCTTG
GTAGCCACATGGTAGATGCACTTTTCCACGGGGCAATGGAATGCGACAATTGGCCCCGATC
ACAGAGGGTGGGATAACCTCCTGGTGGCGCCGTGCGAGGTGCAGCTGATAGTGACTGAGG
TTGCCAAAGACAAGACTCGGACATCTCTCGCACCTGTGCTCCCTAACGGGCATTAATTCC
CGAATATCCGGCGTGTGTTTTCTGCTGTGCATTTTCGATGGCACTTCTATTGTATGGGAAC
GGAATGCAATCGATACAAGAAAAATCGAAAGTTATCGATTGCCTTGCTACGGTATTTCTG
AACGATACTTGTAAACGGTCACTCTGCAACGTATCTCTCTCGGGGTAGTAAAATACGAGGT
AACGATCACTTTCGAAAGAATATTTGTGCAAGGTGCGACAAGCTAAAAATAACAACCAAAAT

>EP77467 (+) Dm CG4239; range -499 to 100.

TAGAAGCCAAAGTAATAGCTATATATTGATTTATTCCATTAACAATATTATATATT
ACCAACACGAAATAAGTGGTTGATGAAGGGCATTTTTGAGTGGCTTTTGGTGGGATTTTG
AAACGCGAACGGTCACACCTGACACAAATTGTTTAGCTTCGCGAGCTTTTATCTGTTTG
TTTACGTTTAGCCGAATCCAATTATTTATGTAAGCAGCCAACAAGTGTAATAATAATA
TCCCAATAATAGCCCCAAATGATCAACATAAGCCACAGCAGTTTATCCCATCTTATGATT
ACTCTGTGTGTAATCGGTGGAAAAATAAGTGCACCATAGGGCGGGCAATCAGTTTCCGT
TGAGTTTTGAAAGAGCCGTCAGAATGCGATAATGGCGCTCTGCTCGCGAGAGTTTCCGTT
CTCTAGAAAGTCGGACATTCTAATAATATATCAGTTTCTCGAGAGCAGCCCCATACAAT
ATAGTATAATATCTGGCCAGTCTCCAGTGTTCTGTGCTGCACTCTGCTATCCATTATCC
GTTTGCTCGCGTGTTAGACGTAGGTAATTTCCAGCTTAATTCGTTTATTTCTTACAAATA

>EP77468 (+) Dm RAB30; range -499 to 100.

AAAGCCAGTGGGACTTAATTTAAACGATAGTTGGCTGTTATCCGGCCTTTGGGAACCTTAC
GTTTTTCATGTACGGCGCCTCGAGCATCGCTCCACATCAAAGTCTCGGCCATATTCGA
AAATTACTTCGCTGCAATTCGGGGTGCTCCGTGAAAAAAGTCCCCTGCTCGGTGTCTGGC
ACGTTTGGAGAAATCAAATGTGGTGGGACGCACAGCGGAATTCGTAGGACGACTTACG
AACTTCTCTTTTGGCTTTTGGCATTTTAAATAGAATTTTTCGAATTTTCAACCAGAT
TTTCTTCTCTAGCGTGGCTGTTGTTTTCGCTTCAGGGTTGTACAGAACTTATCGATG
ATGAACAATCGATAACTAGTGACCGTACTTCAAAAAGTTTTTAAGTGCTTTGCAAAACGT
CGATCTATCGATACCGAGAAAAACATCGTTAAGTATTGCTATGGGAATTGATGTCACATC
TCTAATCAAATACCATCACGTGAAATACAGTAAATTTCTGTTGGTAAACATAAGCAAAA
TTAAGGCTGGCAATTAATGCGGCAGCATGCAACCAGTTGATTACAAATTTGCAAGCATAG

>EP77469 (+) Dm CG5674; range -499 to 100.

CGAATTTTTGCGGTATTTTGGGAACTAGTAGTCGTATGACTGACATTTTGTACTTCGTC
TTTTATTTTGTACTTGATGTAGAAGGGTTCGATTTTCCATTCCACTCTGGGCGCCATC
AATCTGTAATGGAAATGAATAGTGCCAAGTTTAGTTACTAATGAAATACTTAGATATAT
TCCACATTACATATATTCACAATTGCTAAAAACAAAAAAAAGGCGAAAAAGCGGGTAGAT
GATTTGCAAAGTTTATTCTCCAAGTCTAAATGTATATACAAAAAATAGTTATTTGTT
TTTTTACAGTGTTAGTTCTAGCAGGTACACCCATCAGGGCATAGCGGATGCACTCCCAT
AGTCAGCTTCCAAACCGATTATCGATTGGCATCGAATACGTAGATATACAAACGAGAAGG
GAAAGTAAATGTAAGTTTGTGCTCAGAACTGCTTATCGATAGGCATCGGACAAGGTGCC
ATCTCTAATTTCCCCTCTTGTACCGAATGTCAATCAAATGAAAACAAAAAAGCGGCGT
GAGAAAACGAAAAAGAACGGGCATCCAGTGCACATTTCAAGCTTAATTTGATGCATTGA

>EP77470 (+) Dm CG17041; range -499 to 100.

ATTTCCCATAAAGGCAAACTATTAGTATTGCTTTTGGCTTTTGTGCAACATTTTACTTTT
GACGTTTTGCGTTTAGTCTTAAAGAAAAATATCAATTGTTGTTTTGTTTATTTTTT
GAATTCAGTCAATTTTGGGGTAACATTTGAAGAGTTTGATGAACTTAATGCCTAGTTTG
GCGTAGCTAACTTGCTCTTTAAACATTAATTTCTACATATGTAATATACTTCTGAACC
GTATTTATTTTCACTATTTTTATATTTTCAAGGGATGTCTATTATAGGGTACACGCCAA
GTTGATTATGCTTTCTTTAAAAACACCGCATTGTGTCTGTTTTCTTTTAGATGTTATTGT
TTTTTCATTATTTTTGGGCCATTTTCTTTTGGGAGCAGCCGTTCAAGTCACTCATCTCGT
ATACATGTCATCTGTATCTGTGTTTCGCGCATCGCTTATTTTTCTGAACCTAAACTCAA
AGTACGCAGATATCCATTCAATTGCGCCTCGAAACTCGCACGGTACGGTTTTTGCTGCTC
TTTCATCTGCTGAAAGTGAAGGAGCTGCCACGATTTTCGCTTTCACTTACGTTTTCGGTA

>EP77474 (+) Dm DH31; range -499 to 100.

GATAGCTGATGTACTGCCAATTATGAGATAATGCACGTAAGTTATTAATAATCTGGAAT
ATTGGGGGGGATTTATATTGGATTTGATGGCTGACAGCTGCCGCATCCGCGGGCACTAAT
TGAAAACATACAGATGCTGATTAATCCAATGCTGATAGTCATGATCGATGGACAATGGCT
CGATAAACGCTTCGATAATTGTGCGTAATAGATGATTAATAAAGTATGATGAGAAGTAGC
CAACTGTGTGTTGCGGTGTTGCTGTTGCCCTTTTGCCACGTGTTGCGTATACGACCAATT
GGCCAGCACCCAACGACCATCCCATGACTGCGCACAATCCCCATTGAAATCGGCCCAAAA
GCAGCAAGTATCACGTCGTGGGCGGACCCGAGGACGTGGACCGAACTTCGGAGTTTCCAC
TCGGGTGCCACCTGAACGCGTTGAAATCTTTCGTATCCTGGACTCGTATAAATCGCGGTC
TCCTTGGCTGCCGATTTCACTTGCGTTTCAAGTCTCAAAGCGGTGCAGTCAGCAGCAGTAA
CGGTAAATATTGTAAGAACCGATTCCAAAAAGTTTTTCAAAATCCCATCGAGCATCGTC

>EP77475 (+) Dm DEB-A; range -499 to 100.

CAAACTATCTGAATCAGCAGATATGCAAATTCGAGTGCGCCAAATAAAATATTCAAAAAAG
CCAAAACCCCATTTGCACAAGGGCGCCATCTTTCGGAATACGTTTGGTGCTTAGCACAGC
TTTCAACCATGGTTGAGTTTGTACTGCAAAACAGGACTGGATAAATGCCAATGTTAAACT
ATCTGTAAATGTTAAAAATAAGTTTTAGCTTAACAGCACAAAGATAATATTCAAATCAAAT
AATACAATACTTGAAATAATAATAATAATTTAATTAAATTATAGTTTTTATAAAGG
GTATAGTGTTGTATGTTATCAAATGATGTAGTTATATGTTAGCCACAATATTTTACTAAT
AAAAGCCACTGTGCTAAAAATGCCTAACATTGACCTTAACAGAGCCTGAGTTACCGCCTTC
ATCAGCTTGGTATTTTCGGCACCGCTGTGCGACGGTCCCACTTGCGGCGCCATTGAGCAAA
CGGTCACTCTGAATCGTTCTTTCTTTTTTCATCAACATGGCTGATCAGGTAAGATTCCAC

GAGAGTGTGCTAAATAAATGAAATACGCGGGTTAAACGGCTGATGCGAACCCGCAACAAG
>EP77476 (+) Dm BNB; range -499 to 100.

TACCAAGTACCAATACCGGGTACCAGGTATCTGCGGTCTGCCAAAGAAGTCTCTGCAGA
AGACTTACAAATTACATTCGCTTTAAAAATAGACAGCGCGCAGTGAACAATTTGCCGTCT
ATTTATGGAGAAAGGGTTCTGGATGGGAGATGGGCATGGAATTGGGATTGGGGATGGGGC
TGTGAAGTTCTGGAGTTCTGCAGCTCCTTCATTGCCGGCTTAGAACGCCGAACATAAAAT
ATCCATATCCACGGGATCCTTGCAGCTTGCAGCTCTCACGTACGCATTCGCGCTGCCCCA
TCCTCTAAAGATTCTGCCTGCTGCGTGTGCTGCTTGTGCGGCTGCTGCTGCTGCTGCT
GCTACCGCCGCTGCTGCGACGTTTCGTGCCTAGCACGCTGTCTATGGCCATACCGCCGATG
CTCTGCCGACGTGCACTTCGGGCGTTTCGTGATCCGGCGACGAGTGTATATAAACGCCCCG
GCGCGCTGGCATCCACTCAAAGTGTTTCTTGAAACTGACCGGTGAGAACACGCGGCAGGC
CAGGCCAGCAGCGCAGTGGATTAAAGAATATATATATATATATATATATATACATATAC
>EP77477 (+) Dm BICC; range -499 to 100.

AGAGCGTGTTATTTGTGCGAAAAGATTTTACAATTGATTGTGTTAAGTAAATTAACCTGC
GATATCTATGTGTATGTGCTACGATCCGAATTTCTGACATTACGGTAAGTGGCGTGT
TGGCGGGAATAAAGTCGGTTTCTCTTTGTGCCGTATTTCTTACCGTTTTTTCTGGCGCC
AAAATGAATGAAAACGGTTGGCAACATTTCAAACCTTAACATTGCAACATTCTAACCGCTG
TTAAGCGTTTGTCTCTGCAAAATTGTTGTAGCTATGTTGGAGTTCTGGAACACCACCTCTCC
CTGCGACTTTGTTTTGTTTTCTGCTCTCGACATATGGAATCGAATCTCTTATTCCGGGAG
CGGTTCAATTGACCCAGCAACAACAATATTCGCCAGATTTTCTCTGCCAGCGATTTGCGG
AATTCATCCGCTCAACAGTTAGAAGTAAATGCCGTCGAGCAGCGGGCAAAATCGATCGAC
GAAATCGAGAGCCGCGTTCAAGTTGCCTTCAAGCCGTAAGTAGAAGAAGTGTGTTCCCTCC
AGAAATCAGAGAGATTTTTCCCAACTTGCATTTTTCCAATACTCTGACAAAGCCCTCAG
>EP77478 (+) Dm CG2991; range -499 to 100.

CGATTTCCCTTTGTAAATTTAACGTATAACGTTGAAATGTTTTATTTACTTCTGGCATA
AACCAATGGAATCATTTTTCGGTGGCAGTTAGAACCAGGATTAGCTCAAAGCAAAGCATAA
CTAAGATGCTTAGTGTGTGGAGTAATTATCTGACTTCCAATAAGACTTTTCAGCCACTA
AGAATTTACGGGTGCTTTCAAGAACCAATTAATTTGATATTTGAATAAGTTTCGCCTATGG
GAATTTCTAGTGTCTATATCCAAAATAGCATATGCTTTGTATTACGATTATAAACAAACA
GCAATCCTTTGTCAAAACAGAATATGAAATATATAACTCTTCGTCGCCAAAAGTATAAA
CAAATTTTGAATTTATTGCATAGTATGACCGTTAGTCGAAACAGATAGTTCCTACTTTGT
GGATGCGAATTTTTGAGAATGCATAGGTAATCGATAGTGCAATCGATGCTTGGCCATCTC
TAGTTCAGCAAAACGCGGTACACTGCAAGTTCAGAGCTCGAGTGATTTTCATCGCGTCGC
GAAACGAAAAAAGTTATATATATTAATAAATTTGCGAGGCATAACAACCATTTACCCATT
>EP77479 (+) Dm ADE2; range -499 to 100.

CTTTTAAAGCTCAATTCGCTAAGGGTTAATTTGAATTCAGCGGCAGTCGCTGTGCAGC
ACTGGCCAACCGAACGCTGTGGTGGATTGAGCCGCGAAATGAGGGGAAACCGAGCTGGAG
CCTCAAACGATCGTAATTTGCAGCTAAGACGCACGTGTGCTCCGCTCAGTGTTAGTGTT
ATTGTGCTTCAATTTGGGGTATTTGGCGTTAATTTTACCTAAATCCGACCATTCAGC
AACGCAGTTTTCCGTTTCGTAATGAAAAATATGTTTACGCCGGCTTATCAGCAAACCTCCA
GCCGGGGAAAAACAAAACAAAGTTGTGACGCCAGTGCAGCGATTGCTGCAGGCGATTCCA
TCGATTTTCGCTCGGCTGTAACCTGATCCGCTGCTGTGGGTGTGGGCTGTGTGGCTGTGG
TATAGGTGCCGCCAGTTGATAACCCCCAGCGTGGGCACGGACCCACTGGTTCGTCAACCGC
TTCGCAACTCCCAAGATCATTCTCGATTGACGAGCAAGGAGTGCACACTGTCTGTACTC
AATCCGCATTTTTCTGTTTCTTGACGCCCCACGACATGGTCATCCTTCGCTACTACGATGT
>EP77480 (+) Dm CG8841; range -499 to 100.

CAGTTTTCTGTTGGGCGAGGGCAGCTCCTCCTCCCTTCCCGACGACCTTCGCATATGTTTTG
GCACTCGCCACTTGCCCACTCGCACACTCACGCTGCCTGGACGAATCTGGGCGTGTGCC
TAGTTGGGCATCTCTCACTAATCCTAATCAATCGAAGTGAAGCTGCTAATTTTTGGTG
ACGTTTACGTGTGCTTTATGTTTCTTGTGTGAGTCCGAATATTTTGACAAGCGTCTTCC
AACACCGGCGCGGCAGTTCTGCTGCTTGCAGCACTGGCACAGCTGTAGATGCCAACTCGA
TGCGGAAATTTCAATAGATTAATTTGAAATACAGCTGCAAGCGTATATAAAAAAATATA
ACCTTGTTTTTAAAAATAAATATGTTGCCAAGCTGTGATCAAATTGATTTAATCAAATT
GATATTTGAATATGAGGGCCAAAACAGGTGAGCATAATCAGTCACGCACGCATCTTCAGT
CGTGAGCGTTACACCCACCACTAAGTTACACTGGCATTGGTGCGTAGGCGAATTTCTAA
TTGGAATCGTTGATTTTTGAAAAAGAATCGCATTAAATGCAAAGCATTCCTGTTCCAGA
>EP77481 (+) Dm CG3168; range -499 to 100.

ATAAAGATTGACAGGTCTTATTTTCGTACACACACATTGTTGCGATTACGAGTATAGCCAG
TCCGGTAGATAAGAGCGCCTGAGAGCCAATGATAAGCATCGGAGGGCGACATCTCTGAT
GCTGCCCCAACTCGTTTTGTTGTTGTTGTCTCCGATCCGCTGGCGATAACGTCAAGAGTA
ACAAAACTAAAAAATAGCAAGGCAAAACGCAAAAAGAGGAAAAATGAGGAAAAATA
TGAAATAAGAACAGCAATGGCAATAGCAACCGTAGCAGCTGAGTGTACACAAGCTAAGAA
CCGAGCCGAGTGCCCCGAGAGTGGCAGGCGCACACACAGATTGTGCGATCGCGAATGAGC
GAAGAAGAGTCAGCATCCCGAGAAGCATGCCGAAAGGGGGCGTCTGGGTTTCGGGGTGG
GCGGATTTCTGTACGGTCTGTTATGGGGCTGTGGCACTCTGGGTTGGCGCTTATAAAAAAC

GCCGGCCCAACGATACTTGGAAACGATTGTCCAATCGCTCTTGGAGCCGCGTGAGCTCC
TCCAACCAAGTATCGTGATCTATATAGCCCGGATTCTTCAATTCTGCTACTAACC GCCGT
>EP77482 (+) Dm CG6294; range -499 to 100.

CTATTTTTAGTTTTAGTATTTAGTTTACTAAATACTTTTGGTATTTACACGATTGCGG
TTAGAAAAACGTTAGCGTATTGAGTAAATTATTGTTTGATTGAGTTTTTGAATCTAAAA
CACTTTCAAATACTTTAATTTAGCAATTGAAAGTGTTGAAATTGTTAAAGTAACCTAGAA
TTGTAAGTAACCTTTGTCTATTTCAATCTCAGTTCAAACTTCTCAATCTAAAGCTGTAAT
TTTTGTAAGTTCCTGCTGTCCGATAATTTGAGACATAAAATCGCGTTTTATCCCATGGTG
CAAACCTGAAATCAGGTTTTCTGACTAAGCCAACCTCGGATTGGATCGAAGTGTGCGGAAC
TCGAGCTCTCTGGCGGCTCTCCAAGATCCAAGACGCCAGCTGTGAGGTGGGTTAAAGCTC
TGACCCCTTGCAACACCCCCCGTAACCCGTTCCCCCGGCGAGTGGGGAAACGTAGTC
GCGCACGGCACTTTGCTCAGCCAGTTTCCATTATCGCCGCGTCGGAGGAGAAGGCCGTC
CGATGGCGAGCTCAAGTGTGCGACGAGTGTAGAGTAGTATTAGAATCCGAGCGCAGCTC
>EP77483 (+) Dm LCB1; range -499 to 100.

GCAGCAGTTCAATGGAACTGAATGGATCGGCGGTTTGAATTGAATTCGATTTTCTTATT
TCCCACCGCACGGTCACACTGCGATCGTGCTCTGCCTATCGATATAAAATAGTAATCGA
TCATATATTTGAAATGATAACTAGAAAAGAACCGTTACGTAGCAAGTTTATTTGAGTTCA
GTATCATAAAAATATTGATAAAATCTAGGTAATTTTTAATAAAAAATTTAAATCTGTTGT
AACTTGTGTATTTTGTGTTAGCGAGTCAGCTCGGTGGGACAGGTGAGTGGGACACGTC
AGCGGAACAGGTGCGTGGGTGAGATCGGCGGGACAGGTGCGTGGGGCAGGTGGGCGGGAC
AGGTGCGACAGGACAGGTTTTTGAATAACAAAAAATAAATAAAAAACGTCCCTAGTTCCA
TATCCACTGTTCTCCATCGCCGCCAATTTGGCGCACATCTTAAAGATATCCGCGTATT
GGTATTTTTTAGTACATTCGTTTATCCATCTGTTTCGGCGGATATTTACGCATTTTGCC
TATAGTTAACTGAGTTTTGTGGTGAGTGCTCGATTTAAATGGATATTTAATGTAAGAGAA
>EP77484 (+) Dm CG1732; range -499 to 100.

AGTATAGGATCCTTTCTTCTCAGAGTTTTGATAAAAAATATATCCTTTTATCGTTTTAA
TTTGCAAATCCAATAATTTGTACACCATAAGGAATTCCTTTGAAGTCATTTTAAAT
TAGGTTCTCTATTTGTGGGCTGGCTTGGACACGGGTAACAGACTTAAATATATATT
TTAAATGGGTGAGTAAATTGTTAATCATTTGTTTGTGGGGGAAATCACCATTCAAGCGTA
AATCTTATTTAATTTAACATCCGGAACATAATTTGTAACACACCGTGATTTACACAAAC
TTACCACTGCGCTACGACCCATTGTTAAATTTGGGCAATGTCTGAACCCCTTCTTAAA
TCATTATTAATTAATTTGTATGTAACACGTCACCTAACAGCCCCCTTATTTTAAAGC
GTCGCTTTTATATCATCTACATACAATGAGGGCAATCTCCGTTTGCAGAACAGAGCATTGTA
TTAGGTAGCTTAGCTACTCAGTTTAAATACAGCAATTGCCGCGCAGGGTGCTGTTTTTG
TGACTCTGAACCTAAGTCAAAAACGAGAGCAAAAGACGAGTGTTTGATTGTCCTAGACTA
>EP77485 (+) Dm CG6184; range -499 to 100.

GCGGGGAACACACAGTGTCCAGTGAAGATGTGACCCACATTGGCAGTACGCGGAAGT
TCGCTGAATGGAACCTCCGCTGTCCACCCAACGTCCAACGCCAGTGCCACATATCGC
AACTCCACCCATTTTATTTCATGAAAAGCCTCAAAGCGAGGACATTGAACCGCTCGCAAGG
AGCTAATCAGGGAGTTTTGGCTGGGGGATGATGGGTGGTGATGGGTGCGTGGGTGGGTG
GTGCTCTGTCCAGCAACAGATGAGAGAGAGAGAGATAGAGAGAACCAATAGAGAGA
GAGAGAGAGTGTGAGAGCGAGCTGGCCAGGTGGGCCACCTCATTGTTGACAAACAAACCT
GTAGCCGCTGGCCAACACGTGGCGTTTCCGCTCCCATGGGTGGTGGTTCGGGTGGTTCCACT
GCTACGCCAGCAGGGGCGCATGCTCCGATTGCGCGACAGCTGAGCGCGAAACCGTGACGT
CGCTATTGATTTTTACACACTCGCCGGACGCGCATCGCTGCAATTGGAGTTGCACGAAAA
AACAGGAGCCGAGGATGCTTTAAGATATCCGAGCCCATCCTTCGAGCGGCTAAATCAG
>EP77486 (+) Dm CG9134; range -499 to 100.

TGTGGCTATCGGGTATCTCATATTCGAGCCACTTAACTGGAGCGTTCTTATAAAGGCTTG
GTGTTCACTTCACGTGATGGTTACCTTGGGAGGCTTCGTATTCGATTCCGATGCGACT
GGAGCTCTCGATCTCCAGCTGGTATTGTGTCAGTGTGACAAACAACCGCAAGTGTC
GCCGACCGCTGGCCATGTCCATATACAGTATGTATAACGCATTTGGCCGATCTCGGGTG
ATGTTAATCTTTCGGGCTCGATTGCTTTTTTCCAGCAAAACAAGTTGGTCTGCAAGTCG
GAGATCTTGGGCTCTCTCAAACAGTTAGCCAGCTCAAAAGCTGAAAAGCCGAAGCGCAA
TGAGTGTGTTTCCCGAGCAGCATCTCTAGCCATCTTCTGCTCCAAGAGAGACAGAGAGA
GAGAGAGAGAGAGATATCCCCGAAACCTGCGGCGGACGGAATTCGCTTGGTTTGAGCC
AAGTTGGGCCGAAAGAGTTAGTTCTTCGACAGCCGACGGTCAGTTTGGGCGCACGCCAGC
GCAATCCGTTTAAACACGATCCAAAATCAGTAGTTTCCGCTCTCCGATTTTGCCAACCTTC
>EP77487 (+) Dm KAP-ALPHA-3; range -499 to 100.

CACTTGAGGCGTTTCTACGCTCGCCCTTTCTCTGTGTTCTCCGTCATTGCTCTCTCGCT
GGGCGCGGATCGTCCTAGTGTCTATGCATGCTAATAGATTACCGCAACAGATCAGCGAAT
TTGTGCGTGTTCGCGATTAAGCGTTTTTCTGCACGTCTTGCTTGGACAGAAGTTTCAATA
ATAGCGATGACACTCGTAATGGTATCTACAGTTTCGACGGGCTCAAAGATATCGATACTTT
GCTAGAGTTGTGAATAGTACCGTCACGACAAGCGCCTGCTTGAAAAAACCTAAATAATA
AGAATTGCTATAATGCTTTTTAAGACAAATGAAATATTTCTAAATAATGTTCAACTGGT
TCATAAGCTTACAACCTCAACTGAGTAACTTAAATTTCTAAATTTAAAAATAAGTCG

ACATAAATTCAGATCTGACGATTGGTGCTTCAATCGACCCTGCCTATAAGTGGGCAGTCC
CGAATTGCCAACCGCAGCCAACTTCACTCACGTCGTTGTCTACTGATTGCAATTTTAATAA
AAAGGAAAGAATTTTATCACTTTTAAAAGAGCTAGAAAGTGATGTGTCGTGGGAGAAAC
>EP77488 (+) Dm EG 171D11; range -499 to 100.
ATTAAGCGCCTGAATAAACTATAATCTATTAACCTGTGTCTGTGCGAAAGCAGCGGTGA
GGTAAAGTTACTCCATGAGCGGGCTTTAATGGATTTGCGCTCGCTGCTGCGTGAATTT
CCCTACAATTAGCGCTCTCTTTGGGTCCGCTTTTGGAGAGAACAGTGGGATGAAGCAC
CCATATGCTGATCAAAATAGTACCATATGCTGTACTAAATAGTAGTGTTCATTGTAT
TTCCTATGAAGCGCTGTGTTAATCATTAGATAAACAGGCATTTACCTTTGGAAATCCCAT
TGATATTTTATTGTAAACAGTGGCTGAACAAATTTAGACTTGAAACGTGAGTGACGTTTT
TCAGTTTGTCTTCGCCATATTTAGGGGACGATACTCTTCAATTTCCCACTGTGCGCGGC
GACTGAGGCAGCGGCAGCGCGCGGCAGAGGCGGGCGAATGGGCGCTTAAGGCCAATCA
ACGCAGCAAATTTCAAACAGTTGACTTTTCGAGCCTGAGCTGCAACGACGACCCACGAC
GAACGGAGGCCCGACGGACATATAAGAAGAGAGCGAGTTGTGTGCGGGAGAGAGCTGAGA
>EP77489 (+) Dm RAN10A_1; range -499 to 100.
GGCCTAATTAAGTAATGATCCTTAAAAAATTCATCAAAAATTTATCTACAGTTTTGCAGA
AAATCGTCTACAAGTGAAGGAGTTTAAATGCCACCTTCTCCAGTACTACAGCCAATAAA
TATCATGAACCGCCTATTAACGATAAGAGTTCTCCGCTGACTTTATTTTATTATTATT
ATTTTATTACATTGCACTATTATTTATATTTATTATTTAACTCAGCTCACAGAGCGTATT
CCGTGCTACGGCATCTCAAAAGTTTCGTAATTTTATTTATTATTTATTCAAAAAGTTTCA
TTACAATTTGATAGACAGTTTTTTTTTTTGTACTACAGTGTTCTGTATATCTACTAAG
CCATATATTTAATATATTATTAATAATTGCAATGGTGTGGATGGTATATAAGTAAG
CGCCAGAATTTGGAACCTCTCTATGCTCGCACGGTCACACTGGCCGATAACGAAAACATC
GAGGCAACAGCTATACTTCATTTATCACTCAAATCTGGCAGCACTGCATTGTGTTTCGGC
AAAAAAGAAAGTTGTGTTTTCTAGGAATTTGAGCAAAATGTAAGTAGAACTACAAAA
>EP77490 (+) Dm RAN10A_2; range -499 to 100.
ACTTATGCCAAGCGTTTATGCGCGCTAATTTATTTGCGAACAGAAATGTGAGCATTATTA
TTCATTTGGTTTCCTATGCTCGGGTTTAAATTAGTATTACCCAGGTCAATTGTGGGTCA
GAGCCGCGTGGGTTTTCCGGGTCTCCTTTTGTGTGGCAAATGTTTTGGGCTGCGCATA
AACGTGGTGGGAATGTATGTGTGCGAGTATGCAGAGTATATCCTTCCGCTCCCTGCCGC
CTTCTTGTGTTGTTGTTGTTTGGTGCCTGGCATTCTGCTTACCTGCACACACAGCC
AGCCATACCTGTGGCCATCTCGCTCGGCTCGGCATCTCGGCTTCTTATCCTTGGGG
CTCAGCGGGAGCGGCAGTGCAGTTCCTTTGTGTTATCCTGCTCGCTCCTCGCCGAAC
AGCTGGTGCCTGCTTGGCGGCTTTGACGCATCCATTGTGACGTACATTTTGGACG
GCTCGCAGGACGGGCGAGTCAGTCGCTGGCGCTCGCCGAACCAACAACATCCTAGCCAAC
ACATTCGCTCCTGTTCTGTTCTGCTCAAGCTCCGCTATATATATATATTTAAATA
>EP77491 (+) Dm MEN; range -499 to 100.
TTATGGTGAAATTCATATATTATTATATACTGTTATATAATATACTATTCAAATAAGATA
TATATACTATTTAAATGTAATATATATATTATTAACAATTGTTAGTGTGGGAACGTGGAG
TGTGTACGATTTAAATTCATTTAAATGTTAACATCGGTTCTTTTCAAGAAAGAGTATCCG
AATGTTGGTGACGAATTGGTTGTTATTGTCACTCCCGCATTGACATTCATTACATATTG
TCTGCTCTCTCTCTCCCTCAGCACGCCGTTTATCCACCGCCAACATTCGAGAGT
CCTTCCTCATATAGTCGCGGCAAGAGCGCGAGCTCGGCTGTTACACGAAGAGAAACAGC
AACAGCAACAACAATAGCCATGAGAGAGAGAGTCAGAGCTGTTGTAGTAGTCGTGTG
TGTAATAATCATACGACCACAACGACAACCACTCGAATACGAATTTCCAATTCGCA
AACTAACGACACGAATCACAACGCAAAGTGCCGCGCAAGTGGAACACATCGCCGCATACG
GATACGGAACGCATAGGGACAGAGATTGCAATCCGGTAATATAGCCTTAGCCACCGAT
>EP77492 (+) Dm PS; range -499 to 100.
GATGCCGACGCTGTTATTATCAATCAAAATAAGTTGTTTTATATGTACTTTTCAAGC
GTTTGCTTACGTTGGCAACTACAATGGGGGCTCCGCGTGAGTTTTTAAAGCTCGCAACA
TGACATACATATGAATTATTTACAATTATTTAAATATAAACGATTTATTTGCTTGTGCG
AACTTATGAAATATTTAGTAAGACGTTTGCCACTTGCTGTTTTCATGGGCACTTTTTG
TGGAGAACAGCTGTTTCTATAAGAAGCGCTTTATGGTATTTAGTTGGAAAAATTTATC
GCTAGCAGTATTTTAAACAAAGATTTAGAAAGGGTTCTTTTAGAGTCATAAAAAATTG
TGAGTTGACAAAGTCGCCACTTTAATTTGTGCATGATTGCATGTAGAAGTTATTCTAAA
TACTTGTACCTTAAATATATTAATCCCTTCGCAAATTAATCGAACATCGATAGTTACGCC
GGACGAGCGCACTGCCATCACTAGTATATGAGTCGCTTTAAACAAAAGAAAGTTTTTAC
CAGCTACATTTCTTTGGTTTCTTAACTGTGAGTAGTCCAACCTCTGCGAGTGTCAAGCT
>EP77493 (+) Dm RAB11; range -499 to 100.
GGAGAACGATTCTGTTTAGGTTGGAACGTTTAAAGTATTCAGACATTTTGAGTTGGAAA
TAAGTTAAATGGGCTAGGGATAATCCCTAGAAAATGTGTTACAGCTTTTTTAAATACGAT
AGGCTTGTGCGGATGAAACGAGAGCAGTTTCATGATAATTCGTGCTACCGTCTGGTAAC
TAAACATCCATCTCGTTAATTTAGTGATGCAAGTCGATGTGAAAACATCGATAATGATA
TAAGTATGTTGGTGTGTTTTAAATAAAACAAATAAGTTTTTAAATAGGAAACAAACATTA
GATTTATTTCTAGACCTAATGTGTTTTAATTATGAAAAATTTAATTCTAATTCTAAAG

>EP77494 (+) Dm HOW; range -499 to 100.

>EP77495 (+) Dm GLU; range -499 to 100.

>EP77499 (+) Dm CYCA; range -499 to 100.

>EP77500 (+) Dm BCDNA RH06643; range -499 to 100.

>EP77501 (+) Dm BCDNA GM02885; range -499 to 100.

>EP77502 (+) Dm TPX-1; range -499 to 100.

CATTATTTATTATTAGTAGTAGTACTTGTTTCCAAGTCTATCAAAAGTTATTAAGCGCTA

CTATCTTAAACTTGAATATTTAAACTTACCATTAAAAATGTAGAATCCACTTTTGAAAA
GCACGCCAATAGTTGATAGATGGCGCTTTAAGCACTTGCTAAAAAATATCGATGAGCAGC
GTTAATCGGCGCTGCCTATCGCAAGCGGTATCCGTGTTGCGGCAGCCCTGGTCGACCAGC
ATTCGCTTAATTTCAATCCATTTCGCAATTTCAACTCGTGCCGAAAGGTTTGTGTGCG
AAAGCTGAAGCTGCGAGAGAACAAGAGGAAGCCACGCGGAAGTCAAGCAATTACC
>EP77503 (+) Dm TRC8; range -499 to 100.

TTTGGATTGAGCAGCAAAATTTAAATTTTCGTAGACAGCGCGCAAGTTAACAGCAGCACTAG
TCAACACTGGACATATCAGTTAACAGCTCTGTTAACACCAGCCTAGGCTGTATATTGAGT
GAATGTAAACTGTAATATTAGAACTAAATAGTAAATGCAGTTAAATGTTTCAACAAT
AACTGAAGCAACAAGTCGTAACCAAAATTGCTACCCAAACCTCAATCGGCTTCAAGTTAAA
GTAAACTCTGCCAATAGTGTCTCTATCGCACACAGAAGGCTAGACCAGACCCCTTAG
AACGTAGTTTTTGAACAGAATACCTAAAATTACCAGTACCCAGACCGACACGAGCAAC
ACGCGCCGTTTCGCGGCTCAAAGGCAGAGGGAATTTCAAAAAGCGCGCCACACGATCAG
CTGGCAACGACAATCGATAGTCCGGCGAAAGCAGGGCCGCGGGCAGCACTGGCGACCGC
AGCGATAGGCAGCAGACCAATCGATAGATGGGCCGTGAAGAAGGAGGAGAAGCAGAGG
AGAAAAACAAAAACCAATTGTGAAAAGTGTAAAGTTTAGAGCGCAGCGCAATTGTGTGGC
>EP77504 (+) Dm PRL-1; range -499 to 100.

TTCGAAGTAAAGCGTTTTAAAAATCGTTGGGCTATTGATCGTCACTTCTGTGCGAAAGAGAT
AAGATGACTAATTGATCGCCGCTTGCTGTTGCGATACTACGAATGTAAATAGTAGGGT
AGTTCTTTTCAATAGAGAATAATTTAATTGGAATATTCTCGAAGGACAGACCAAGAAT
CAAAATAAGACGACTTATTGGATGAATAAGAAAAGAAAGTATGTGACATATTGAAAATAT
TATATATTTTATGTCGTTTATAATAAATATATATGTATATATATTGTACAACCTTCCTT
TAAATCACATCTTACATTTAAATAAAAAAACTGTTTTTAAAGACAATTGCAAAATA
GGTAATTAATTTATTACAAAAAGTATCGATTCTGCCCGCAATCGATGTTTATCTAACAC
TTAATTGCACTCGATACTATCGGCTCTATCGAGTGTTGAGATTATCGAATATAATCACC
ATCCGTGTCTACCAACACAAACGAGCGAATTGTTGCAACGCGCTACTTCGATTACAAGTA
CTTTGCTCTTGAAATCGGTAGAAAAAATTGTGCAATCCGTGCTGGAACTACAGATATT
>EP77505 (+) Dm CG6650; range -499 to 100.

GAGTGACTGAAATCCCAAGGCGACTCAATTGTAAATTTATTTTATCACTTTACAGACGC
AAGACTGTCTTCGATAGCAGAAGGCGTTATTTGGAACATATCGTTTATCGAACTACAG
TTGCTCAATACTGAAGTGTCCAGCTTCGAGTAGCTGTGGCTCAAACCATTTGTTGTCATCG
ATAAGCAATTGCAATTTTATTTGTTTGTCTAAAAAATTTAAATATAAACTACGAGGATCA
AATAAACATACATATTTCCCAATATGTTAGCGAAAAAATATGCTCAAAAAAAGATGTTTAA
ACACAATGTAAGCTGTTCTATTGATGAAACAAATTAACACATTGAGAGGGCGCTCTTATA
AGTGACATTTCAATTTAAATTTATTTTAAATATATTCAAATATAGTATAGCAGTATAGCA
TTCAAATGTAAGTGTGGTTGGACTATCGCTGTAGTCCAAGAACTGCAGATAGTGTATC
GCTAGCTTTGAAGCATCTCAAAGGAAAAAGAGCGATAATTCTGATAAGAAAGTTGGCGTA
GCCGGAAGGCGGATTGTCACATACAAAATAGTTTGAAAGGCCCAAACCTGAGGCGAACCAA
>EP77506 (+) Dm CBL; range -499 to 100.

CATTTAAGGCGATAGTTGATCGATCATCTAAGACTTAAATTAAGTTGATGTATATGATA
CAAGAAATAGTGCTTCCTATGTATTGTACTATATTTAATTTATAAAACGTGAGATTCCA
CATATTTTCATGAAAGGTTTCTACAAAAAGTAGATTAAAAGCATTTCCTATATATATTT
AACACAATTTTCAATTAACAAGCAGCAACTTCCATTGTGTAATAACAATTTAAATACTTC
CTTTCGAGGAGGAAAACTGTGAAAAAGAAAATCGTTACCAATAGATTATATTCTGTAAGT
CTATTATTTCTAAACATATTTCCCAAATGAATATTCAAATTTATTTTAAATTTAGTTTAT
TTAATTTAATAAATTTGTAACGAATTTTTTCAAAGCTCGCCATTTTGTAAACGGCATTTT
ACATGGGTCAACGATGACGTCACAGCGAAATGCAACCCTTCGATCAGTGTGACCAGCCGT
GCGAGCTCGTTTGGTATTTACTGGCGTTGCGGCCGCGGTATACCGAGATTTTATTGAAA
AAGTCGAAAAATATTGTGTGGGTTTAAAAAACGCAACGTCGCCGAAACGCGTAGCCCCAA
>EP77507 (+) Dm DP; range -499 to 100.

CAGCAGGTCCGATTTGAGGGACTCCTTGGGCACTTGTTTCAAGCAGTGCCAGCGCCAGAC
GTCGCTGTTCTCGTCGTTGAGGAAGTGGTACCAACTTTTGCACACCTGCGAGCAATGACT
GAGGTGCTCCAGCTCCAGGTAGGAGAAGATTACCTCCAGCACATTGTAATTGCACAGCGC
CGCCACCGGATCGACCATTTGTGTGCGTGTGCGCTCGCTGGGCTCGTGTAGATAGCT
GCTTGGATTTACCCGTTTCTGTTGATTGTCATTTTCCACACCAACCAATGGGTAAAA
TAAACTCGAAAACTTAATATTCTGCGATTGAGGTGACCGTTGGCGGGCTGCCAGCGA
AATACCGCTCACCTGGACAAAGTGGCAACTTTGTTTACATCCGCGACCAAGTGTGCGATAG
CGACTGTGCGACACAGCTGCTTACAACACTGCGTAAATTGATGCGTAAATTGGCGCGCAC
TGCTGCCATTTTATTGCGACCCGACACAGCCTGCTTTGCCTTTCCACATGAAAACGA
AAAGCAGCCACTTGGTGGAAATTTTGTGACCATTTTGTGCGCTTAGAAATTGCGGAAAT
>EP77508 (+) Dm SCAMP; range -499 to 100.

CTTGGATGCGGAGCAGACAGAATCGCACACAACCGAATTGGAGACGCGGGCAGCGGTAAA
TGAATCGAATCGCAACCAAGACACTAGAATTCGAATTGCGGAATGGCGGCCCAAGGAT
GGGAACTGGTTCCACGCAGCTGGTTGAGCTGGAGCAGTTCGATTGGCACGATTGTTGCC
ATTTAAATTTAAATTCATATGATAACTGCTGGTTTACATCCAATTGTATATAGAATCTT

TTCTTTTTGCTATCATTTTTAATAAAATGTATTAATAGGTCCTAAAAAATCAGACCATTGT
ATACCAGTTATTACATTTTTTCAGAATTCTAGATTAATGTTAAATGTGTTAAATAATAAG
TTTTTCTGCCAAAATGAATTTAATATGTAATTCAAATAACATTAATTCTTTAAAGTAATT
CTTTCGATATTTGAGGCCTACACTTTGATTCCCAACGAAAGCTTATCGATGCTGAACCAT
CACTAAAACCGACATCGATAACTGAGCAGAGTCTTAGGGAAAAATATACACAGCGAAAAGC
AAAGTGCGAGTCAGTGCGTTTTTCTGGTCATTGAACAGCCGATCCAAAGTAGAATTTCCC
>EP77509 (+) Dm DL; range -499 to 100.

ACCGGAATCAAATGTTGCTAACGAAATGCTTACAAGCCGGTATCCAACCTGGTATCTGAA
ACTGCTAGCAAAACGGGGAATCAAATGTTGCTAACGTAACGAATTGAATTGATTTGTTT
TATTTTAGATATAAAAAATAAAGTAGAATATCTAGAAATAAAAAATCCGAATTTTGAAGA
TTATTTAGAGACAATCTTGGAATTTGTACAAATAAACACCCGTCGGTTGAAGTTAAAC
AATATAATAAATTCTTATATCAAAATAAACCTTGGTAATGTATATTGAAATTTTAAATAGT
TTTTAAATGTGTAAGTTGACTATTTATTCAAAACGGTTTGTGTCATTGCATCTGCTGAA
ATGCACTAATTTTGGCACGGAACCTGTTTTGAGAGCGAAAGAGAGAAATGAGAGAGCGAG
TACGTTTCGTGGTATTTTTAGTACGATTCCGCGCGGTGAAGGTGAATAGTGTGTTTGGTC
GTGGACATGAACGGCATTACGTTTTTCAACTCGGCCGCGCAATAACTCGAAAAAGGCAG
CTCCGCAGCCAAGGCATTTGAAAAACACAAGTCCCCGACTCGAAACGCGACCAATATT
>EP77510 (+) Dm NR; range -499 to 100.

AAATGTGATCGATATTTAGTTATAACAATAATAATAATAATAATAAATTAATTGAAA
ACGTAAGAGAAAAGGCATCAATATTGTGTAATACTTGAAACAATAATACCAATTAAATAA
ATATGTTGGAATAAACGAAAGAAATCCAAATAGTTTCAATATCTTTATAATTAAATTATGT
TTCTGTTTAGCGTTGCTCAGAATTGTAATTAACGTAACCAATTTGAATTTGAATATT
TTGGCGCCAGTTCATCAATCGATATATCATTGTTATGGGTAGCATTGAACACACTA
TCGATAAGAGTCTCTAAAGAGTTACAAATATCGATAAGAGCGTAGGTTATTTAAAGTAT
ATCGCATCCCTGGTAATCAATCGATAGTTGGTATATCTTAGATAAATATCGATAACCGTA
AACCAAGTTTGTGGTGATGCCACCCCGATTCCGTGCGTCCGATTGTTACCGTTCCGCGAG
GCTGGCAGTTCCTCTCCGCATTGCAAAAAGAAAATATCCGCGCTGCTGTTGTGTATGTCC
GCCAAATCGTATTTACTGAAAACACGCCGAAAACACCGCGATACATATTCGAGCCGAG
>EP77511 (+) Dm ROX2; range -499 to 100.

CGGAATGTTCTAGCGTCCCCGATAAATGCTTCCATTACCTCGGCCATGGGCGTGTAC
TCTCGATTCCGATGATCTTAATGGCCGCGTCTCGTGCTTCAGCTGGTGCGGATGAATGT
GGTTCTTGAAATCCGCAAATACCAAGTACTCTGTGCTCTGACTCCGAATCGGAGGAAT
CGTTCATGTTCTCCTTTTATCGTTATGCATGGGCCCTGATTGATGGTTGAATGATGGCGT
TATTTTCGAAATATATGACTTCCCTTAAACAATAATTTGTCTGATTCCCATTTACAAAACCT
TGTTAGAAATGTGCGTGCACATTCTCTTTCTTCTCTATGGTAAATTTAAATGGCA
TTGTGGTGTGAAAATACTATTATTTTTATCATCAAAGAAGTCTTTCTTAAATACCGGC
AGTTATCGATAGGTAAACCCACCACCAACCATCGAACTATCGAGGCGAAAACCTGTCAT
CGGTAAAACGAGGCGAACACAAATCTGTTTCAATTTGTGTCAAAAACCTACGTACGTTTT
CGTATAGTTGTAATATTAGTAAATAATAAATAAATAAGCTTATAAATAAATATTTATGC
>EP77512 (+) Dm SP512; range -499 to 100.

TCTAAATTAATTGATAGATAGTTTTTGTACTTTTAAATTAATTAATAATTTTCGAAAT
TGCAATTTGTGAAATGAAGACTGATTGTTCTGTACACATTTACTATAAAAAATATATGCCC
GATAAGAAATCCCCAGCCGGGGGAAATCCCCATTTTCTAGATCCGCCCTGGCTGTTCTGT
GCCAAAGCGCAACAGCATTGCAATTCGCAAGTCACCACCATTTGAAACGGGGAGCGGAAG
TGACTCACTGCGCAGGCGCGTCTCTGTCAACCCCGAGCAGAGTGAATGCCGCTGACC
CCCCAACCTTTGCCCTGCCAGCGGTAAACAAAACAAGTTTGGCTTACCAGCGAGAGAGA
GAGAGAGAAATAAAGAGAGAGCTTGCGGATGACAGCTGAAAGTCCCGAATTTCCCTGGCT
TGGGCCTCCACTATTTCTGATTTGGCACCCTCACATCTGGAATTCAGACGGGGGCACGC
CAGCAACGTCAAGGAATTATCGATTTTCGATGTGAAGTGAAGGAGTGAAGTGAAGTGAAGT
CAAAAAACTGTAGCGCGAGCAGGACTCCAGTGAAATCTAACCAAAAGCAGTTACACCGG
>EP77513 (+) Dm PDI; range -499 to 100.

TTTTTTGCGTTTACACAACACCAGTCTTTATTTTAAAAAGGGTAAATGACATAAAGAGAA
TGACGTAAGTTATTTAAATAAAATTTAATAAAAAAATGAATTAAGAAGAATTATA
AGGCCTTTACAAATTGCCTTATGTTAAATACAAGTTAACTTATATACAATACAATACGAT
ACTATTTATATACAATATTTTAAATTTATGGTATTCGAAAAAACCGTAATTTTAAAA
AAAAATAGTACATTACTGAATTAGTTAAATATAAAAAATAAACTTCAAATATATAAACGA
GATCCTAACTAAAAAATTTACCTTCGACGATTGCCAACCTTTGGGCACCCAAGCGCCA
CCTACAGTTCAATGCTCATTGACAAATATCGATATTAGTAAATTTATCGGAAACT
TGTAAGAGAAATACCAAAAAATCCCTCACCTAATTCAGCTTTATATGTATATATCTCTGCGT
TTCACTGTCACTTGAATTCATTTGAATTTTCACTTGCAACCGGGCAAGTTTCAGCGCAGTT
CGAATCCCAGTTTTGGTTGGCGAGTGTGCTGCACCCACATAGGGCAATAGATTCAATAAA
>EP77514 (+) Dm MOD; range -499 to 100.

GGCACCTATTTATTTTCTAAGTGTGCCCTGGCCCATAGTAAGTGACTTTTAAATAATTT
TTCTTTCAATACCATTAACAATTGCTTGAATTAACATTAAGTTTCTACTAAGATAAAAT
GCAACTGCAGTTGACTTGGCTTTTTAATGAAATATAATATATATATTATAAATTCCTTT

AGAAACAGATGATTCATAGCTGATGATTGAGGAACTTACCATTGGAATGTATAAACAC
ATGTAAAATCAGACCGTTGGTAAATATCTAATCATAGATTGTATCCTAAGTCTTAAATAA
ATACTTTATATAAACTGTTTAAATATTTATTTTATTTTAAAGGCTTTTATTATTTTAT
ATGTATACATGTGCATGAACGGACTTTAAACCATATTTAGTAGTGAATAGAGCTATAAA
AATGAGATTGAAGTCTCTAAATACTTTATTTAATCAGCCTTAGCACCGATAGAGCACAA
CGGTACACTGTTCTGTCCCTCTTTCCACGTGCATTTTATTGAACGAAACCACGCGTTG
TTCAGTCCAACTTGACTTTGCTAATTTTGCCAGAAAACCTCTAAAAGCTGTCAAATG
>EP77515 (+) Dm EIF-5A; range -499 to 100.

GGCAGCCCCATATTAAGGCAAGGTCAAAGCCGCAAAGGTCCAGAAAAATGTCGCACCTGG
AAAACGATAATTTTCATACCGTCGTTGCCCATTTAGAGTTTATTTTAAAAAAGTAAATCAGC
AGTAAATTGCTATAGTCTTCGAGTCATGCGTATACATTGTGTAATGAACAGAGCAAACCT
AAAGTCTTAACCATTATTTATACTTACAGAGACATTTTAAAGCACAAATACATAATAAAA
CAAAAAATTAAGTGTTTACTTGCAACATACATACATACATACATATAGCTTATAAATA
GTTGTTTTCAAATTTAAGACTGAGTTGGCAGGCCATTGTAAGTTTGGCGAAAATACGGCA
TCGGCCTTATCGTTCCATTTCCACAGTTCTAAACTGGCACAGCGACCGGTGCTGACAA
CCGTGTGCTAAGATGCAGCACTGTGCGTTTCTTATTATTGACCGGAAACAAAACGTGGGT
TTGATTTCGATAGCAGGGTTCTTTCATTTTACATCTTCGGTTGGAACAGTCACTGGACTTT
GCAAGTAGGTTAGTAATTTTCGCAATTTTGTGTATAAAAAAATTGCAAAATTCGCCGGAGAA
>EP77516 (+) Dm VDAC; range -499 to 100.

AACATTCTGTCGCCGACGGCAAATGCACTGGTCTCGCTTTTGGCCCATCCGAATGGGAT
TATGCGGTGCGATTGGCGGCCCTGCACGCAGATTGCTCTAAAAATAAAAAGAGCATCGCAC
ACACTTCATTGGTGTCAATCAATAAAGTTGTAATATATTTATTGCATTTTGATTGCTTTG
GATTATAACTTTTTTAAAGCCCATTTACTTGTCCACAACTTTAAAGTTTTCGTTTGCAGG
AAACCCTTTTATGTAAAAAAAACACTTTGATGTAAGTTAATTGTTCTTAAGATAACGA
ATTTCTTAATAGAATGATTGAATTCTAATTTCAATAATTATTTTAAAGTAACCGTTAGTTT
TCAAAATTCGTTACAAAAAGTGTGACCATTGCCATTAAAGAGTGACGCAGCGTTACCAGA
TAGTATATCTGCGGCTTGTTTTAGGGAATAATTATTGGACGAATTTTAGGGTTGGTAAC
ACTAAGGCACAGAATTACAAAATTTTTTGGTGTACGTTTGTGCGGTGCTCTGTTCCCTC
TGCGTTTTCGATTACACTCTAACCAAATAAACTCATCAAAAGTAAGTAGCTCAGGAGT
>EP77518 (+) Dm NINAC; range -499 to 100.

GGATTAGCATATGCAATTAAGGACAATGGACGCAAGACGAAGGACGATGAAGTGATGGAG
CGATGGAGCCTCAGCCACATGCATAAGAAAAAGACTTTTCTTATTCTCACAGAACTTAAC
ACACAAAGAAATCAGTATTACAGAAAAAAACATAAAGTACGCAATAGGGCAAACATCA
ATAAACAACGTGTGTGAATGCAATGCTAGTTTAGCAATCTCCAGCCATTTGGAATACGT
ATAAATATATTTGTAAATACGAACAATAAGATGCATAATTAGTCTGTCAATCAGCTGAC
TTTCACTCGCATTGCCAATTTCCCTTTACCTCGGCATTTTGGCCATCTGTGTCGCCGCT
TTTTTCACTTGACGTGAATGTCGCCGCCGCTAATTGAATTAGCCAGCTAAATAGTTGTC
CAAGGTGTGCACCCAGGTACTGCCATTGAATGGCTTCTTCTTCCAGTGAAAAGCCT
CCGATTGCATTGGCCCATCATTTAGTTGGCTAACGGCAGCGGTACGTGCTGCATGCGTGC
GGTCGTTTCAAGTTCCACACAAGTACATCCTTGCAACCAAAAATACACAGCTGCAGGAT
>EP77519 (+) Dm VHA55; range -499 to 100.

GGCTCGCTGCCTCCGATGTCCCGGATTCTGGTACTATTCAATTGCTGTCCCCGAGCACTG
CTTTGTTTTACTTTCTGGGTGTCCAAGTGCCGACGCGGTAAACAACTTTTGTAATTTAA
TTAAATTTGTTCCATTAAAAACTTTCCAATAATTAACAGAACTGTGCTGTGTGAGTTAA
CAGTAGGGGTGGTACAAATCAATGCTTCCAATTTATCGATAACATACGGCGATATGGCA
GCTCTCTGTGGGTGAAAAACACTGCTAACTCCAGTGTAGGTAAACAGACTTGTGAGTGCG
TAGCTGCCATACCGATTTTCGTACCGGTTTCAATTTGATACCATATGGCAATGTGGCAGCCC
TGCTGCGGTGTGGAACCTCACTAAATGGCAACACTAACAAATTAGTGTGTAAAGCGCGCG
AAACGGAAGTTCTTAACCGTGCAGGGTCATGTGACGGCAGCTGACGTACAGCAGATT
CACATTCAGCAATACTTTTCAGTTCCAGGGCAATTTTTTCATCGTACTCGCAACGACTTCGC
AGGCCAAAATTTTGCCTGTGTGTCGCTCAGTACTGTTTCGTAGCTGAAAAATTGTATGTG
>EP77520 (+) Dm HMGD; range -499 to 100.

ATATAGGAACAAGTTTCTATCAACTGTACTAAATCAAGGGTAGGCTGAGAAGTTATTATA
TATTTTTTAAATATTTAATGGTACCTATTTTTTGGGCATATAAATTTTGGCGCCATTTT
TAAAAAGCGACCCTCGTTCTTTGTAAGTCTCACTAAGAGAATTTGATTCCCGTGCAGTT
TGTAATTTATGGGAAAGTGAAGAAAAATGAGAAACCGCAAAATAGTTGCAATATTTTCGAG
GAATCGAGATGTGCATTTATTTGTTTTTGGCCATTTAGTTTCGTCCACTATTGTGCAAAAC
GCATTTTCCCTGCTTAGCGTTTATTTGTTTTTACATGCCATTTATTGTATTCCGTTTTG
CTCCCCGTGCGAGAGAGAGGGAGAGAACTCTTACTCTCTACCAATACCAACACGGCG
TCGCTGCTTGTGCGCGTTTCTTTGCACTCTCTCATCTTCTCTGTTTTTTTCTGTTGTGCC
AACCGTTCCGTTCTTCCGTACAGTTCAATTTTAGCCACACAAGCGCAAGGTTGGTTTCTCT
CTACTGAGTTCTAAATAATATTGTGCAAGATAAAATGTAAAAAGTATATGGAATTAGTTA
>EP77521 (+) Dm ACCOAS_1; range -499 to 100.

CTGCGGGTGGCAGACGTGCTGCTCCCCATGGAACCTTCTAGGTGATAAGACCAAAA
GACCGAAGAGAAAACGTGTTGAGAGTTGCTCAAAGATAAGAAAGTCACTCAACAGAAGATT

AAGAGAGCGGACAAGGCACTCAGTTTCATAATAATACAGATCAGCTTAATACGGCGTGCT
TGCTGGAATTAAGAAAAAACATTTAACACTGTTGCTTGACACGCGATGGCGCACGCCA
CGGCACTCAGCCATCACCTGATGGATTGATGATGGACCGATGACACACCTACCTCTCTG
GAAAGTTACGCCGTGCTCTGGCGATAAGGATGTCCAAGTCGCGCCTTGAAAAACATATG
CCCAGTCAAGTTGATAAGCCTTACAAAAAGCGCCGCCCATGTCTCATTGAACTTGAAGAG
CGTGTTTCGCGGAAGCTTTTCCATTTCGAAAGCTATGGCAACGGAGGCGAAAAGCTTGGCA
GTAGCTCATTGCAATGGTCAGTGCTCAAAAAGAACTCATTCCGTGCGGTGCGAGAAGCGC
ATGCTGCTCGAGAACCAACCCCTGAAAATAATAAAAAACAATCACACAAAGCTAAGGATAA
>EP77522 (+) Dm ACCOAS_2; range -499 to 100.

CCAAAAGACCGAAGAGAAAAACGTGTTGAGAGTTGCTCAAAGATAAGAAGTCACTCAACAG
AAGATTAAGAGAGCGGACAAGGCACTCAGTTTCATAATAATACAGATCAGCTTAATACGG
CGTGCTTGGCTGGAATTAAGAAAAAACATTTAACACTGTTGCTTGACACGCGATGGCGC
ACGCCACGGCACTCAGCCATCACCTGATGGATTGATGATGGACCGATGACACACCTACC
TCTCTGGAAGTTACGCCGTGCTCTGGCGATAAGGATGTCCAAGTCGCGCCTTGAAAAA
CATATGCCGATCAAGTTGATAAGCCTTACAAAAAGCGCCGCCCATGTCTCATTGAACTT
GAAGAGCGTGTTTCGCGGAAGCTTTTCCATTTCGAAAGCTATGGCAACGGAGGCGAAAAGC
TTGGCAGTAGCTCATTGCAATGGTCAGTGCTCAAAAAGAACTCATTCCGTGCGGTGCGAG
AAGCGCATGCTGCTCGAGAACCAACCCCTGAAAATAATAAAAAACAATCACACAAAGCTAA
GGATAATTGCAAAACAGGATAATTGAAAACCTAAAGCAAGGAAAAACAGTTGAAGGACAT
>EP77523 (+) Dm TPPII; range -499 to 100.

TGATGATCACCGCACCAGGTAGGATTTGAACACATATTGTCAATGGAAATAGATTGTT
ATGATATTTACTGCAAGACGACACCCAGTGTGACCGTGGATAGTCCGTTCCAATATACAG
GTAGCCTTACAAAATATACCAAAAACTTGAATGTTGAACTAGAGGTGGGCCAGTAACGAT
AAGAAAGTAACGGTGACTGAATTCTATTCTGCTACTGCGTTTAGAAAAACGTCAATGTTG
ATTTGAAAATAGTTTTTGGACCAATAGTTGGCTTAAATAATTTGTAATAGATCTGATATA
TCTAGTAGAGCTGATAAATGTACGCAATGTTTATAATCAATTTCAAAGCTCGAAAGTATA
TAGAAAAACAATTCCAGTGTAAGAGCTGCGTGACCGTTTTACGCTCTATTTCGGGTTGGTAT
TTTTCCCAATGCACTTTTCGTACATCCAGCTGGACCATTTTTTGCACCTCAGATCTCGGT
CTTACCAATCCGATTCTTCATTGAACAGCTACGAAGGAATTCGAGAGAGTTCTGAGCGC
AGCAATAGCAGCAAGAAGACTACCAACAAGAGCAGAGCGACAAATCAGCGGAGAGCAGG
>EP77524 (+) Dm CP89BC; range -499 to 100.

CGCGGCAGTACTCGATGGAGGATTCGACGGCGCATGTCCACAGGCTCTTGCTGAATTGGG
ATCCACCGTGCCGGTGCATTTCCCGCCGCTCCTGTTGCGCCGCGCTGTCAGATGGTT
TTCCCTTTAGGAAGTCCATCGAGATGTACTCCTCGCTGGCGATGCTAAAGTATCGGGTGT
GGTCCAGCACAAAGATGGTCTTCTGGTTGCGTTTGAACATGGTGGACTCGTGACAACCTT
AAATTGCCGGGAAATCAAACAACGCAAACGTTGAATCCTAATTGTTTACAATCTTTGTT
CACCACGAACAGCTGTTTTCGAATTCCAAATTCACCACAGCTAATTTTTTTTTATTTTTT
TAAATTTACTAACTGTGTTAAAAAGCTCTTTTCTCAAATTCACAAAAAAGCACACATT
TAAAAAAAATATATCGATGTATTTATAACTTCATTTCAATTTGTCCGTCTCCAATTTACC
GAATCTGGCAGCGCTGCTCAGTAGTAAGAATCACGTTGTTAAGCGAAAGCTGTCTAAATT
TCATAATATTTTCTAGATTGTTTTTTTTTCCATACACTGAGTGAAAAGCGCGAGAAGCG
>EP77525 (+) Dm NOP56; range -499 to 100.

TAGACTTTTCCGGCGAGTGCCACACCGCTTTTTCGGCTCTTCTGTGTCGTGTCAGCAGCT
TTATTCGCCGATTTTTACACAATTAGCGCCGAATAATAATTAAGAAAAAGTGACTGGAA
TTCGCAGCAGGTTTCTTCTCTGGTCAATTGGGAAATGACAATGATGGTATCTGTATCTG
GCCTCCAGTTGGTGGTCTGTTAACTAGTGCCGTAGCCCAACAGCTGATGCGAGCGGTTT
CAGGAAGTGTCCGAGCCAAGTAGTTAATTTCTGTTGTGTTTATAAACGCAAAAAATTTGT
TATAAATAAAAAATAAATTTGCTTTTACACACAGAGACAGTTGATGAAAGTGCGAGAGGGA
CAACGCGACAGGTTATCAGGCTATCAACGTGGCCAGCCTGTTAAATAAATTCAGTACGGT
ACTGCGGTATTTTATCTGGTATGTCCCTAACATTTGCAATCGGCTTGCTATGGTCACAC
TTGAAGTAAGCAGTGGGAAAAACAAGTGTAGCAGCATCGTGGGTGTATAAAAAATATATAT
TTCTTAATTAATCGGCATATATTCGGCATAGACATGGTAAATATTTCAAGTGCAATAATC
>EP77526 (+) Dm PAST1; range -499 to 100.

GTTTTAGTGTAATAATCACAGAAACAAAAGATTAGTGCTTTTTAACAGTTGTTTGTGTCAT
ATATTTTGAAGGCCCGTAAATTTAACGTTTTATTTGCTTACTAATAAATCAAGATGCCA
CGCCAGAAAGCAGGCGACAGGTGAGCAATCCTATATTTACACAATTTGAATTCGATATAA
GTTTCGCGCTTGAAGAAAAGTGTGACCGCCGCGCAAATGTGGACCGTTATCGATAGGCGC
CGATTATTTATGTTCAATTGTCAATGACAATTTGTTTTAAAGCGAAAAATATAGTACAGGA
ATAATAGTTAGTTAGTTACGATAAATATGAGTATAATTTCAAAATTAGATTAATTAGTTT
AAATTAAGGCCGTTGACGGGTGGTATTTCTTTGACGCTCTTGGTATATTGCAGTATTTA
TCCGAAGACTCTGTGGTATTTCTTCTGTTGTCTCTGGCGTGGTCACGTTGATTGGTCCGCT
ATCTGGACCGAAAAAGTCGATTCCAAAAATAATACGTATACGTACGCGCGTGAATCAC
TCGCCACACGACCCAGCGCAGCGGACAATCGAGTGTAGACACATAACATAACTGCCGTA
>EP77527 (+) Dm FL(2)D; range -499 to 100.

GGGCAGCAATTCCGGACTCTCGCGGGATTATCCGCATCCTGCTGCAGGCGCCGCTTGAC

GTGCAGATTGAGCGCTCCTTGATGTTTTGCTGTTCCAGTTTTATTTGCACACCAGTGGT
TTCTGCCATGTTTTGCGTTTTGAATATAAAAAACAATATCCAAAACAGTCCACCAGTGTG
ACCCCTAAATAAATCTTACAAAAAATAAACAGTAACGTAAGATACAACCTTTCTCACTTG
TATTTGATTGTTCTAATTATTTCTAACTATGTAAATATCGTTAGTATTGGATGCAAAGC
TATGGCGGTAGACGTAAGGAAGGAATTATCAGTGCAATTTAGAAGTTAAATAAATTTGTT
ATCTAATAATTATTTGGCAAAATTTGTGGCAGTGTGAACGGAAGTGGGTTGAGTCTCCGC
TACCCCATATCCGAGCCACGCACCCAGGTCTGCATTTGTGTCGATGGCAAATCTGGTAT
TTTTCAGCGACGCCATGTTGGATTGCGAACACAGTTAACAGCAGCAAACGAGAAATCAG
CTCGCAGCGCAGAAAAATTAATAATATCGCCGTAAGAGTGAGCCCAACCGACCCAAAAAC
>EP77528 (+) Dm WEE; range -499 to 100.

GCAGGATGGTCTTTGGAGTGGCCGGTGTGCTAAAGAGTCGCAGGGCCCGCACCTTTTGGC
ATGGCGGCGACATGGACACGTCCCCGTGCGCCGCTTCTTTGCCTATCTTACTGTCCAGCT
GCTGCTCCTCACCGGAGGATAGCTTCGGCCGCTGCTGAAGGGGATGCTGCGGACTCGCTC
CCTCGGGCGTGTCTTGTCAAAGTCATCATCGGCGAAGCGGAGCTTGC GCGGATTGAAGA
CCTGCGGCGATGGCGAACGCGATCTCAGTTCGACGCTTGAATCGAGTGAGGTGACGCTCA
TCTCGTGTCCGACTGGCGGAATGCCATTGTTGCTGTAGCTGTCCAGTGACCACGTTGA
AAGACGATTCTGTTCTGTTTCTGATTTTCAAGTATTTTGTATGGAAGCCGGCGGCAGT
AAAGTAAAGGCAATAGTTAAAAAATGCAAAACAAAACACAAAACAAAATTTAACTGGA
GGAATGCTAGTCTAATAATGTGGCCGTACCCGATGCGCAATAAAATACCAGCTCTGACTG
AAAAAATACTAAGTAAGTGAAGTGCAGAGTTACCAACAAAACAAAATACTAAACATCTG
>EP77529 (+) Dm BCDNA GH10777; range -499 to 100.

TTGATATTTTGTCTTAGTATTAATATGACAGTTCCTTTCTCGTCTGGGCCACAGGTACG
TATGGAATAAGCCAATTCGAAGAAATAAATGAGGAACAATAGTGCCAATCTCCACGACTT
CATTGTTCTTTGCTGTCCGATATTATGATACAATACAATTGATACAATACAATAGATTG
CCATACACAAATTCGTTTCAAGTCAATACGAATTATATTAATCATGCGAATCTAATGT
ATTAGGTATGCCCTATCCACGGTTCAATTGTGAAAGTAGAATTTATAAGAATGTATGGTG
GTTAATATCTCTTGCACTAAGTTAATAACAAAAAATAAGCACGAGAATTAACGGTAAA
TGGTATTGCTTAATTTTCGATGTAATTTTAAACAAAATTTAAACTATACTTCTTACCATC
CGTTCCGATAAGTTCGATTTCGCTGGCGCGAACCATCGATATGCGCAGACAAACGGTCAT
ACTGCTCTGCTGCTGGTTTATTTATAAATTAATTTCTCTCTATCTCGGCTCGTTCGCTTT
GTCTCGTCGCGCGCAGCTGTTGTTTGTGAAAATTTGCATCGCATTTTGTAGCGCGTGC
>EP77530 (+) Dm BIF; range -499 to 100.

GACCGCGCGCAGCCCATGTTCCAATGGTGTGGCGGAGTGGCCAGCAAGGTGGCCAACT
ACAAATCGATCATTAAAGGATCAGAAGCAACCATCATCAGCAGCGGCGAGCCACCGCGCA
CCGGCATGGGTTTTGCCTCTCAACGCCGCTAAGGCATGTCCATCCGGATATTATACCCC
GTCAGGTGGATTGCGCCGATCGGCGTTGAGTGTAATGATGCGTCGCATGGAGCTGCAGG
AGCCCCGAGACGCCGAAAGGGAGACACGGGACGCGGAGGCCACACCGCAGAGCGAGGCGC
TAAGTGAGACTGAGCGAAATGATCGCGATGAAGGCGATGGCGAAGTCGATGACGACAACC
ACAACAACAACGACGACGATCAGCAGACGGCGACGACGGCAGCGACAACAATGAGCAAC
GCGATAAAATGGGCGCGGCGGCGGCGAGGCGATAAGCCTAAGCCCCAGCGGAATCGGCAG
CGGGAGGCGCCCAACGATCATTGCTGCTCGACGGAGAACGCGCATGTAGCCAGCGGTA
GTAGCAGCAGTACCAGTGCCAGTGACGGAAGCTCAGCAACAACAACGACTCCAGCAGCG
>EP77531 (+) Dm SLIM; range -499 to 100.

TTGGATTGAGGGAAAACGGTGAAATTTTATGCAAATGGTCACACTAATATGAACAGTGAT
ATAATTTAATAACTTTAAGTTAAATAAACGCAATTATAAATATGTACAACAAATATATG
TATAGATACATTGTTTACTTCTTTGGATATTAAAACTCATAAATGGTTTTTTTTTTAT
AAAAATGTATTTCAATTGGCTTGTCTTCAAATTTGTATTTTTTTTATTTAAACATACAC
AGATAATGTAGTTGAAAGTTTTTAATTTAATTTAAGCAGATGGTGCTATAACATTCTG
ATTAAGATTCTTTTATGCTAATTAGAACAGTGCATATTGTTTTAAGTGCTTCCCACTTA
ATTATAAAAAAATGAAATACACTATCGATAGCCAACCTGTGCAATCGATAGCGTGTCATCTC
TGACTCAAATGCACTCGAATGCAAGCATGACCGTTTATGCCAGTTATCGATAATTCCACGG
CCACACTGCTCAAATGTTCAAGTTCTAAATTTAAAGCGTAGTTTGTGCGCACACGAAACGAT
GCGCGAGTGTAATCGACTGCAATAATTAACAAATCGGCAGCGTGCCACAACCTAGTGAAA
>EP77532 (+) Dm FZ; range -499 to 100.

ATATTTAAATTTGAATCTATAAATATTTAAGTATTTACAAAGTGAATATCGATGTTCAAA
TTTCCATTGAGCGGGCCCAACACCTAGATTTGGGCACAGCTTCGCCCCAATTTCTTAT
TAGCCCTGTGATGCTAATCATCTTGAATTCTAATTAATTAATGAGTCTCTTATTTAG
TTGTTTGTGATGCTTTCTTTTCTGTCTGCTAATCAACAGGAGGCCAAGAAGTTGAGA
GGAGACAGAGTGCGAGCGAGACAGCATCCAAACAAAAGGCATAACAGCCCTGTCTTTCAC
TTCGCTCTCTTTGGCTCTCTGGCTCTCCCGCCGAGAGTGTCAAATTCAGGTGCGCCCCA
GTGCTATACTACAAAGCGTATAGCTGAATAAAACCTCCTCTCACACCATTGAGCGAAAG
AGCGCATATTCAGCGTGTGAGCAGGAGAACGATACGGTGAGAGAGCGGCTTGAAAGAGC
CCCATGTTTTCAAGTTCCTCAGTTTGTGAGCGTATGCCCTACCATGCGGATGTGCTCGCGG
ATTGATTTCACTCGAATCCGGCTCCGTTTTCGTCTTTTAAACGTAAGTCCCGTGCGAAA
>EP77533 (+) Dm SCRA; range -499 to 100.

TTTACTGAAAAACAAATTCTATATATTTAAGCGTAATTATTTCCAGAAATGTTTTCTTA
CATTAAATTAACGAAACCCCAACAGAAAAGCCAAACTTAAAGAGGTAGCCTAAATAGAGGA
AACATGCCAAAATTCTAGCCAAAACATACAGCACTGACGGCACAACGTGTGCAGCTCACC
AGAGAAATCAAAGGTGCATTTCAAGCCTAATTCCAGGTTCTTAACCTACCAGCTATGCGT
GATAAATATTGAAAGTGATACGTGGTAAATTACGTTGGATATTCATATTATAACATCAA
TAAAAACCTTTTTGATAACGCTTTAAGAAAAATAAACAGCTGTGGCCGAAATTAACC
GGTAAATATGTGTGATTGGTGAACCGGTTTAACCATTGATGTGCGACAGAGCTGCCACCC
TGCCAAATACGACAAAGTGGCAGCCCTTGCAACTCACCCTGGCATTCTCTCCCAATT
TCGGTATTTCTGTCGTGGTCACTTGAGGGTCTATGGCATTGTGCGCTCGTTTTGAAATTA
TTCAACACATCTGAAAAGCCAACCGCCGAAACGAGCAGAAGCGACGCGAGAATTCGAA
>EP77534 (+) Dm CG8209; range -499 to 100.

TCTCTAAGAACTTTGCCGCTTCTGTCGCACTTCAGGGACTTGGCTACCGGAGCAGAGGTT
TCACCTGCGCCACTGGTGCTACTGGAAGCTGCTGCGGCCGAGGAATCCACAGCCGACGT
GGTTGAGCTGTGGAACAGGGGATTCGCCGGCACCTTGACGGGATGGTATTGGATCATCC
ACGTGGGCCAGCAGCCACTCCATTGCCGGTTCTACGCCCTTGTTACTGGTCACCTCCAGT
GCATATTCACGTGAAATATATTTCAAGATTAAAGCAAATTCGATTGTTGCAGTGTAAT
TATTTTGGCGGTGACCAATGTGGCATTTCGATATTCGATACCTACACACGTTCCCGAGGGAAT
CCCATATCCATCAATGTCTGCACCTTCACTCATAGCGTTGGCTGATTGCGTCCCAAAAATT
AATAGTTCAGTTTCGTATATTTATGAAAACGAAAAATTAACAATGACACACAAAAACAAA
GCCAGGCGAGATGGATAACTATCGATAGCTCGACCCGTGGTATATATCGGTGTAATGCAA
TAGTTGCAGCTATGGCAAACAAAATGATAAATAAATAGTTTTAAATATAATATAAATTT
>EP77535 (+) Dm ARP87C; range -499 to 100.

CCCAATGGAGTACGGGCACCAATGGACTTCGACAGAGGCTTCAGATGCAGGGACGCAA
CAGCAGGGATGCAGCCACCGCCGAGATATCCGTGTGTGCGTGTGCTGGGCAGATAAAG
GGATTCCACGCAAGCTTTATAGACCAAATTCCTCGTTTTCTGCTGTCTCACTTCCGAATT
GAACCATCTCTGGCGTTTGGCGAGCTATTCTCTCTGGGATTAGTCATGTTGGCCATTTGA
AGACGGCTTGAAAGCTCGTTGACAAAGGGACGGGCGGTAGGTGATGTCACTGTTGCTGG
CTAAAACTTTGGGAACCTAGATTTGCACAAAGCTACCCGCAATTAATGAGCCCCATCTC
CACTTACGTTATCTATGACGACGGGCTGGTTGACGACGACATCATAAGGCTCCATTTTGT
GCGTTTATCAAAATTTGCAAATTTCTATTAAATAGTTGGTCAACAGGGTGACCGTAGGT
GGTTGGCAGAAATAAACAGCATGTAAAAATATACCACGGCAAGAAATACTCAATATTTTA
CATGGTGGTGGTTAAAGCTATATGGATATATATTTTCACTGTTTTTCTACATTTTAA
>EP77536 (+) Dm CBP80; range -499 to 100.

TACTCACTACCATCTATTCTCGCCGGAATGTTTCGGTCACTCGCAGCATTGCGCAAACCG
GCAATATGTATGTTCTTTGAAGTACGCCCCAAGGGCCACGGCGCAACGGCACCAATGGT
CAGGGGATCCACCGACTGGAGGGGAAGCGGCAGTATTACAAGCACGCTAAGGCACAGTGA
TAACATGCGTGGAAGCTCATCATAAAATGCAAGGAAATTCGCGGTGGAATGTATAGA
TGGGCAAAAGCGATAGGCAGCATAAGACTAGATTGCAGCACTTGCCGGCAACCGTTTCTA
TCGATAGTTGTGTAGCAGTGGCATTCAACAGATTTTTATTGTAAGTCAGTCAGTGGTATG
TTTTGGTTAATTGAGTATGCCGAATTCGCGCATATGGCGCCAAAGAAAACGTTTATTC
AGGCCCCATTTTCAGTCCGCCGCTTACGCCGCCGCTGTTATCGATAAACCTGCCATCGA
TGCGCGCACATCTTTAGTTCTTTGGCAAAAAAAAAAATAGCATCGCATCGCGTTTTTTG
TGAAAATTGTGACAAAGCTGTTTTGAAAGTTGGCAAGCTAATTGACGCTCGCAGTGAAAT
>EP77537 (+) Dm INT6; range -499 to 100.

TAAAGCGTATAACTTTAAAGGAATGAGAAACCATGTAAATGTAGAAAATATTTAATAATA
TTTCTTTAAATTCATTGTATGGTAACTTATGTAGTTACCGCTTTATTTAATTACTAAGTA
CAATATCTTGTGTTTTATGCCGTAAGCTTGTACGAGCGGAGCTGAAGTTCCAGTGTGT
CCAGTCTGACGATAAGAAGACAGAAGATATCGTCTCCAGGAAAGGTCTTGGCGTTAGTA
CCTCTTTTCGCCGTGATGCCAGACCGGTTTCAGTCTGGCGCCACAATTGAAATAATAA
TTTTTTATTGCTATAATAGCCATGCTAAGATAATAGAAAATTTTGAAAATTGAGTATTTT
TGAAAAGTTGTTTCAATGACTTAATTTTATTTTAAATAAATGCGCCACTTTGAAAGCTTGA
AAAAAATACGGCTTCAGGGTCATGGTATTTAATGTGCTGGAAATACCACACTCTGGTAAC
TCTGAGCGGGCGTCACTCTTTCTGCTCTGCGGCACACTGTCGGCCCTCGCACGCGTATTT
TTCTGCCGATTTTGGTGTAAATTTAATTGTGAAAACATAGTAAAACAGCTGCAATCATG
>EP77538 (+) Dm ANCE; range -499 to 100.

GATCTTCAAACATCGGCTTATCTTCGCGCTACCTGGCCGAGAACCCAGACGGATTGG
AAACATCAGACGCGACTAAGCCGATCTCGCATTAAAAATAAATAATGCTCGAGTTTATCG
ACCATTTCTCTCGGCGACATTAAGTCGTTTGGTCACTCGATTAGCGTTGGGCACGTCGAG
GGGCAGATAGCCCAAGTCACTCTAAAAAAATGCCGAGAAGTTTTATATGATTATAGCT
TATTACTATTTTTTATAGTTTAAATATATTTATATTTTATTATCGTTTGCTCGTATGTC
TCCAGAGATTTCAATATCAGAACAAATTTGGGTTTAGGGAAATAGTGAACAAAATAAAGCA
AACAGTGTGTTTCCAGATCAGCCATGAACATATTGCATGCATATTCGATTTTTTCTCAG
TGCATTATTGCCGGCCGATTCTCGGGCAGTTCTCTGCTCTTGGCTATAAACTCGCACA
ATCTTACTCGAGCGTTCTCAGTTTTAGTTTCAAGCCGCTGGCGAACCAGTACGTTTCGATT
GGTTGGGAAATATCGCCGGACAGAACGTAAGTTTCTCTTTTGAATTTTGAGAACTTGAAA

>EP77539 (+) Dm RPT4; range -499 to 100.

GCTCCTCAGGAACTCCACATAGCTTTTGGCCAACGACAATTGGTTGGGTGCACTGCACAC
GCCCCAGAATGACGGCGTCCACGTTGTGCCGTTGATGTGCTTGTACCCGTCCACGAGCGA
CCTCCGCACCTCCGTCCACTCCGCGCCACTCAGCTCATGGCGACGCTCGAAGAGATCACT
GCGCAGCTGGTCCAGCCGATCGGCCGCGAGGCTGCCGCGTGGGGCGCCGCTTGTGCTG
GCTAGCCAGCCAGCGCGGATGGGCGTGCCCGGCGATCGGCAGGAGATTTCTAGCAGGCG
TAAATTATACATTAGTTAAATTTAAATTTAGATTAATAATTATTCTCGTTAACACAATAA
TTCCAATAAGAATTATGCCGCTGGCGGTGTGCCAGTCACACGCTGCACTTAGCCAGTG
CACGCACCGCATTTTGGTATATGCCAAATGAAATATACCGAAGTAAGTGTACATTTATTGC
GTGCCACGTTACGGGCACACTGCATTGCGACAAAAGTTGCAACTCACTACTTTTCTGAAT
TTAATTTATTTTAAGCGTTGCACAGCCGAAAGTACAGCGTAAATCCTCGAACAAGATGAC

>EP77540 (+) Dm NRT; range -499 to 100.

ACGCTTTACCAAACTACAATACCTTTTTCATAAAATCACCATCGAACATTTTGCACCTTA
CTGTACAGGAAAAACAAAGCCGCTACTTTTACTGCTGCTTTCAGCCACCCCTATGATTTA
TAAATTTACAATGCCGGCTGCTTCCAGTTCAGTGCACAGTGGTCCAGTTCGAACTAAAT
CATAAACATGAATTATGATCATGTCTAATAAGTTTAAATTAATTAATTAATAAAATATTAC
AACAAATTCGTTGTGAGGTGTTTTCAATGCTAATCACTGTTGCTTGACATAATTTGTATA
CTATTATAAACTTACAAGTTATATCTTAAATTAATGTTTTTCTTTTTTCAAGAGAGAAA
CATGTTCTCGCCGAAAACACGTTCCACTTCCAGTTCGCCGAATAAAAAACAAATCCAAGAA
AATTAACATTAACAGTTGCTGTTAAGACTCTGTTAACCGTTTTCGAAGCCGCATGAATTGC
ATGACATCGAAACGGCGTCAGTCAGTTTTGTTCTGTTTTGGAAGCCGCACGCGTTTTCCC
TCGCTCCGGTTGTGCTCGCTTTCGCATCGCACACACACACACTCTCGCCGCACAGACG

>EP77541 (+) Dm EDTP; range -499 to 100.

CGTCAGGCTGCACATTTTTGCGGCGCTGCATTTACCGTTATATTCCTTTATATCTTCTTA
ATCACACACACACAGGCACTTAACACACACGACACTGGCAAAAGCACAAGCCACGCA
CACACGTTTACGCTCGCAGAAAGACGCCGAATATGAACAATATTTCCCGTGACTTTTCTC
TTCTCGCGTATTGTATTTTATCTGCTGCGTATTTGAGTCGCGTTTATCGCTTCTACGCCG
TTTACACGTTTCGCTTTCGCGTTTGTGTTGCTTTGCTTTTACGCCCTAGAAGACG
GCGTATGCGACGTCATCAATCTTTGCGGCCGCAACGCAATTTAATTTTTGGCCCCCTGC
GCTTACGATTAGTGCTACTAGTGTTGCTGTCGTCGTTGCGCTCGTAATTCGTTTGTATA
AAAATGAGCTACGTAATATATTATATTCGCAACGGAGGAAAAGCGACAAACGTCAAACAGC
CGCGACTAAAAAAACAACATGAAATTGTAGTGGTGGAGAAACATCGATGACCCCCGATGC
TTAATCGATTAGAAAAAGTTTCTGTAATCGTTTGGTACTTGCCAGTGGTGGGCCAGCAT
>EP77542 (+) Dm BALDSPOT; range -499 to 100.

TGGTCCTTACCTAATACCCATTACTCGTAAAGTGATATGGTATTTAAGTTTTGTGTCTAC
GTATGCAACACGAACAAAGAATCGTTACTTTCAACCAAATCAAAAAGTTAAATAAAGATC
GATCATCGTTTTAACTTTTACCAGCTTACGTTCTCCCAAAACATTTTAACGATTCATGTC
GGTATAACCATAAAAACAAAAATATTCCTGTATAACTCGCGATACTGTTTAATAATTTGGG
CATACAAATGCATCTTGCTACGCTTAACCAAAGACACTAGTGGCTTAAGTGTCTTGTGCA
ACATAAGTAAGTTTGACTAGTACCCAATAGGAGTGAACAGTGTGCATAGAGCTCCACC
CGCACGCAGCTAGATGTGACCGCACGCGAGCCGAGAAAAATACCGCGATGGCAAAAGTA
CCAGCGCCATGATTGGTACTAAAATATCTCTATATATAAGTATAGCGATAAAGCAGCCG
AACCGCCAGCTAAACGTTCACTTCGCTTTGCGCCGGCAAATTCGATAGTTTTTTGAGTTT
GCTGAACCGAGTCGCTGGGGCAGAAGTGTGTGACAGCCAGCCGTGTGTGTGTATCCAG

>EP77543 (+) Dm MSK; range -499 to 100.

ACGCATGCCGGTAGCCTGCCTGCCATGGTCGCTGCTCGTCTTTTGCCTTGCTGCCAGTT
AAAGCTCTTCAGTTGCGATCTTCGCTCGCTTTAACACAAATTTCCCTTCGTTTCAGTTG
CAGATAAACCCAGATTTCTATATATTTTCAACCACACCTCCAATATGTGTCATTTGCT
CTTCGTCACACACACATTCGCGTGTTCACGTACGAGCAGCTGCCAGGGCTGCAACAATCG
ATTGGCCATGCAACTTGAATGGCAATTTATCGGGAATTGTGAAAAGTCGCTGTTTTTTAA
GCCTTTTAAATATAGTTACCTTATGAAGCAAGTGGTCTATATATAAATGGTGCCTAGATTT
TCCGCAGCGAAGGCTTTTCAATATTGCTCGAATTTTGGCTAAACTGTTACCGCGCAACA
TAATGCAGCCCTGTAGGGCCCCATACACTGCGGCGTTAGTCAACACACACAGGCGCTGTT
TCTTCTTCTTCTAAGCTTCGTTCTGCTCGCAATTTTCGGCGGTGTGTGTGTGCTGTGTG
GAGTCTTTTCCACGTTTTTCTCCGAAAAAGAGATTTGCAATTTGGCCACACATTGG

>EP77544 (+) Dm ANXB11; range -499 to 100.

ACTTACCAGTACGGCGGTTTTTCTTAGCGGTCGCATACCCGGTCACTCTGGGAAATAA
CCATCAAAGAAGCCATTTTAAATTCGATAAGTCGATCTCTTTGACTTTTATATCGCGGCT
ATATAGAATTTCAAAATAAAAGTATGAAAACTCCACATAAAGATTGTACAAAGATTCTC
TATAAAGTGAATCATAAAATTTACTGCATTGAACGACTTTAGCTTAAATTTCCGTTGAT
TTCTTATTGGGAAATTAGGTATGTTAAGAGATTTGAATTAAGCAACTACAAAAGTGAATT
CTGAAAACGATTTTCAAATTAAGAAAAATAATGTTTTAATATTGCAGTTACTTCGCAGT
TATACCGGGAACATACGAAATTTGTGAATGCACCGGCTACTCGATAGCCACCGATATCCG
ATTGGAAGGGCACAGCTATCGACTAGAATCGAGTAATCAAAGTAACAACAGGTTGTTGT
CCCGCCCTGGCGGTAAGTCAGTTGATAAATCACTTCGGCATTACAAAATACCCGCAGAG

TGCCAACATCGCGTTTGCCGATACTTAAAGTAATTAAGCGTTATAATTGTGCCGTTCT
>EP77545 (+) Dm INE; range -499 to 100.

AACGAACATAATTGTAATCGTTATTATAAACTAATAAAATAAATAAATAAATAAATAA
ATCAACAATCAGTTTGATTGCGTACTTAATTAATTAAGTATTCGCCAGCATTCCACTT
GCACTCGTCTTGAATCTGGCCATTTAGGCGATTCAAGTGGTCACAAATGTGTCGAAATT
GTAGCTTCTTCTTGGTGGCCAGATAATCCGCATTAATATGCCAGCATTTTGGGGAGCGGG
AACAGCCTAACCCGAGTGTCTCAAGACAGTCCCACTTATAATACTGGATCCGCTC
TCCGACAGAGAGATATCTGGTCGGGCCAGATATGGGTAGAGCGGCGAGATATAGCCGGCC
ATACACAAAACACAGATACTCTATGCATATGTGTATGTATGTGTTGTGGAGAGCGAGAGC
GGATCGGGTTTGTGGTATGTGGTATGCCGACGAGCGGTGCAAGTGCACGATATTTCG
CACACGGTGATTGGATCAGTTGACATTTGACGGCGCGCGTGTGGCACGTTTTCGGGGCC
TCTTCCACGGACTCATGGTTAATCCATTGGGTCTGCGAAAGTGCCGTACGCAAAATTGAG
>EP77546 (+) Dm RPN11; range -499 to 100.

AGTCCTTTGAGTTTGCTTTTTAAGTTTTATCCGCTTAAAAATTTGAGCTTGGCGCCAAT
TCCCATATCGATAGTTTTATGTATCGATATAAAGACAGTGTGATCAGTGTGCGCAAT
AGCAGACTTAAATATATGCTAAAAATTTCCACAAACAAATTGACTACTACAAATAATCTG
AAGAATATAGAATAAAATATTACAGCGGACTCTTTATAATTAGTTAATTTTTATTTTAT
ATGAAATAACTTTGGTAGAAGTAGCCTTTTCCAATACATCCTTGACAACAAGTGTAAAT
TCATTATTCCTACTATAGTTACGTATTCTCATATTATTACATAACAACAAGTAAAGCT
TAGCTTTGATTACACATTGAACGTAATTGAAATATTTTTATAGCTTTGCTATAATCAAGC
TAAAAATTTAGGCAATCGTCATCTCTCCCGCGATAGCTTTTCGATAGGCGATGAGCGA
TACAACCTGTTGCGAGTATTACTTGCAATTCTGCAAAATCAAACGAGACGGCTTTGTGT
TTTTTGTGCTGCTTTGACGAGGAACGTAAATTACACGTAAAACAGTAGGAAATAGTTG
>EP77547 (+) Dm ENDOB; range -499 to 100.

AATGTTTTCCAAATCGTGTTTATTTTGGGGGTTAATTACAAGGTGCACGGTCTGCAAG
CAGGGTAAGTAAAAATTAGTTTAAATGTTGAAAAATGATTTTCATCCATATCATGATTAA
TTGACTATGTTATATTGTACAAACGTTACATTTTTTAAAGCTTGCCATAGTAGCTTTCG
TACTATATAGATACTCACCACACTTGATTTACCGAACTGTTAGCTTACATAGTATGTA
GGTATGTATTTGCTAACAGACAGCTTAATTGTTATCTACTTTGATGTCGTGGCATTGT
TAATAGAAGTAAATTTCTTTTACCATTACATGAAGAATAAAGAAGAAAAAGCTATGAT
AAATTAATAAATAACAATTTTACATTTTACTCAATAGTAGTATTCCAATTAGAAGTCT
TGTTCCAGTTGGAATTTCTCGGTATATTGGTATATTCTGGGAGAAACAATGGGTCACA
CTACGAAGTAGAGGAATAAATAACAAACAAATTGGGCTGTGTAGCGGAATTTAAATTTAA
ACTTTATCAACGGCAGTGTTAATTAGCGAACCTCTCGGCAAAAATGAATATAAATCTGCC
>EP77548 (+) Dm IGL_1; range -499 to 100.

AAAAAAGTCATTTATTTGCCACTTAATACATCGTTGTAATATTGTTTATTTATAAGAAGC
TTATTGAAATTGAATTAATTCATTGATTTGTAGATCCCAACATAAACTTAAATATCATAT
CCTGATTTTGTGATTATTGCCAAAAAATCAGAGGAAAAGTGGCTTTTGTTTAACCATT
TATTTTTATTTTATTTAATTTCTTTGAAATTTGAGACAATTAAGTTCTACACATACATG
TATAAACCATATATTTTGGCCACTGTGAGTCTGCGAGAGAGCGGGAGAGAGAATTCTC
TCGCTTCTATCTCTCTCTCGAGGTCTGGCTCTCTGTTTCCCTGGGCTTTGTGT
GTGCTTGCCTGCCGGCTGGCGCGTCTGCTGTTGAGCTCGAAACTCCAGCTCCTGCAG
GATGTGGGGATATCGGGCATTCTGGGGTCCGTGGCATCCGAGTGAGGACGCGTCGCCGGC
GCCGTTCAAGTGTCAAAGTCAGTTGTGCCTGAGCTTGTGCCAGAGACAGTCAGTTTCGCTG
CGAGTCTGCCATCCAGCTGGTTTCCGCTTCCGTTCCGTGCGAGTTCTTTGGCTAGTAAA
>EP77549 (+) Dm IGL_2; range -499 to 100.

TTTCCATAACTTACCATAACTAACAAAGCTTGAAAAAGTTTATATGTCTATCCATAAAGT
CCCTTTATTAGTGAGTTAATCGTTATTTGTGATTTCTTTGAGTGTGTTTCGTTATACTGT
TGACCTCCACTGATTTGAATTTAATTTATTGTACTTTACAGTAACTATTGGCATTTAATA
CTTTACCAAAAAACAGCAACACATTACAAACACAAACAGGTATTTAACATTTTAAATTTA
ATTTATTTTGGCCTTGGGAAAATAGGGGAAATTTGTTGGGAAAGCTCCTGAAAGCTGGCG
AAGCTTTGTGAACCTTCACTCAATGTGCCTCGATTAATTTCCCACTCAGACCTACTTTCGG
CTCGTTTCCCGGACCGTTTCACTCCAGACCAGTTAACAGTGGCCCAAAGGCAACATCGGA
AGCCGATGTCGGCCACCCGAATGGTTAACAGGGCCACAAGAATCACGTTTTTAACCAAAC
CCACTGGCCAAACGAGGCCAGTTTCAAAATCAAGCGAAGCGTTTCGGTTCGATAGGTTGC
CCCAAAGAGAGAAAAGTCCAAGCGGAAGTCTTTGAGCCAGCAAAAGGAAAGTGCGCGC
>EP77550 (+) Dm AATS-GLUPRO; range -499 to 100.

CCTGGAGCCACCGCATCGTCAACACACAAATAACATTGATAACGAAAAAATCACTTTTT
CCGCAAAATTTTCTTAAGCCTTACCATTTATTTTGTGTTTTCTCTGTGTGGTGAAGTTTT
TCCGTGGGCTGGGATTACAAAATATATGGAAAAATCTTATTTTCCATGCAGCCAGCGAG
CAAAACACACATAGAAAGTTCTTCTTCGTGCACTGCTGCCATTGCACTACATCTGCCGA
CGTGTTCAGGGAATGGCAAGTACAGTGGGCTTCAAGCAACAGAGCTAGTAATATAATG
ATTAAACATTATTTTGTATTAGAAATATTTTACCCTTTTAAAGTAGATCTAATTGTG
TTGATAGGTAAGTTGTGTTGAAATAATTTAATATTTTGAAGTTATTAATAATCTTTC
GCTGTAACGTATCCGTGCGATATTTATCATTACAGAGAACTATCGCACGGCAACTGCAG

TTCTCCTTGTCCATCTCTATTGGACTGTGTAGACGTTAGCAGCTGGCCGTA CTCTGCGCCG
TTTAAAAGCCGAAATTTTCATCAGTTTGATTCAATTGCAAACAAACACCTGCGAACATG
>EP77551 (+) Dm TFAM; range -499 to 100.

GGAAAGGGCCCTGCGTCCGCCACGCCTCTCAACGCAGCGCAGGCTCTCTGAAAGCCGA
AGGCGGGACCACCTTTGTTTGTTCCTTGAAGGAGCCATCGTCCTTGTGGCCACCAAC
TCCTCTGCTCCGGCACAGGCTCCGCCGCCGACTCCAGTGCCTTGGCCACGTGCGGCGCCG
TGATGAACACGAACTCTGCGTACTTGTGGCGAACTTGCGGAAGGAGCCAGCTTGT
TGAAGGCTTCTCCATTCTGGCGGTAACCGTGCAGGCACAGGACTCGCACCTTCTCGGTGA
TTTCCAGCTTACAGTGTCTGTTGCTGCTGCTGGCCCGACTGGAGCCGGCTGCCTCCACGG
CCGCATCGTTGTTGGTCATCTTATTTTATGATTTTATAATTTTAACTAAGAAAAACAATA
CAAAATAACAAGGTTATGGCTACGGTTAATGGAGATGGTCAGCTTTCGATAACAAAAGC
TTGGGACTTGGTGGCAGCACTTGGCTGAAGTAACTCACCAGGTGGCAACGCTCGGCCTAG
AATGCCGATTTTTTACGTAAATCCTTTTTTCCGTAAATGCAACAAGTTCCCCGTGATTT
>EP77552 (+) Dm ND-ACC; range -499 to 100.

GTAACATGTATTTTTGTTACTGCAGCACCTGAGAGTTGTGATTCGGATTTTATATGAC
TAATGTTCCAACATAATGTATATTGTTTAAAAATACATATAAATATATTACAATTTGTAT
ATGAATTGGGTTCTTATCTTAACCTACTTGTGGTTTTTCAAAGAGGAAACGTGGCAATTTTT
TAGTCTCTTATATCGTTTTCTTCAAAAAGAACCGCCACTCGATTGGCAAAAAGCAGCAGT
CGATAACTTTGCTTTGAAACGTCAGTTCGGTGCTCCAGACTTTAAAAATCTCGTTAAAGT
CGTGCCCAACTCACAAAAGAAGATTTTACGTAACTTACTACTGAAATTCATGTGAATTA
ATATACCACTAACAATTATTTAACTGTAAATTATAGTTGGGAAAGTTACTTACTCATTAT
TCAAGTATTAAGTATTTTTTAGTATTTATTTGCGTAAGTTGAGAAACAGCTTAGTACATTG
CGCATACGGTCACACTGCTACCTTGCTGTCTTTTCTTGCTCCAGCACTTTTACATAATC
TTGAAAACCTCAGCGTAAATATCGCCAAAATACGAGACCTGCACTCGTGACCGTCTGCA
>EP77553 (+) Dm GAMMA-COP; range -499 to 100.

AATATAAACGAAGTTATTATCTAACTAAAAATTCATCGCATTGATCAGCCTTCGCAATCT
TCGTACAAATCCCGGCCAATGCCATTTAAAAACGAATCAAACATAATGGTAAAAAATTA
TGAAAATGTAAATAAAATTTAAAAACATTATTATTCATACAATTTCTTAGCAATTTCTG
TATAAAGTTAACGTGGAGCAAATTCAAAGCTTAGCTATTTTTCCGCCCATTCATAATCGA
TAATCTATCGATAAATAACAATCGAACAGTAAGTGAATCTCAACTAGTTCCTTTTCAATC
CAGTGAAGAAACAAGAAATTTTAAAGAACAAAAAACTACCAGATCTCGGTGTGAGTTA
ATTGAAAACGTAAAGTTTATAATGTGCAGAAATCGGCGAATATATACTGCCTACAAAACGCA
GAAAAAAGGTTGCTTTTTTAAAGATAAGAACAACATCGGAGCTATCGATACTTAACTGGAG
TTTTACATCGATAACAGATGAACCAACTGGGCACCGCTGAGTGACGTGTAAGCGCAGCC
AGAAAACCATTTCAATTGTTTTACCCACAATTTAACCAGAAAGTTGCAAGACAATGGGTTC
>EP77554 (+) Dm CG12170; range -499 to 100.

GCGGTTGCAGTCCGATTCCGGAGCTTGCTCCCGTAATAAGGACCCTTTGCCCGCGAAA
TTCATGATCCGATCCAGAATTATGTAAGGGGATCTCAAGCTCAGTGCGCATCTTGCTGGA
TTCAATAGGGGTATTACCTGGTAGAAATCCGAAATCTTACAGGAGAAAGGGTGTGCTT
GGTTTTACGTTTAAAAATCTGGTAAATGATCAATTAATTTAATTTGTGTTAAGGGAG
CAACAATTATAAAAAATCTATTGTTTTATTTAATTCAGCTTTTCAACGGTAAGCTCTATTA
AAAAATGTATTATTAATGTTGAACCTCATATGTTCTCTAGAATACTTCGAATACTAAAA
ATGTATTAGTCAACAAATTATTATATAAATTATTTATATATTGTATTAATATTTTATTA
AGTATTTTGGTATATTATAAAATGTTAAGTCTTAGTATATTTTCAAGTGCTGCTTGGTAT
TTTTTAACGGCTATCCGGTCTCACTTACGTGATCATGTAACGAAATGCGAGTTTTAGGA
AAGTGCAGTGTGTTGGTCAGGCAACCCGCAGCTTATCCACGCCATCTGGGCGCCGCGAGA
>EP77555 (+) Dm MAX; range -499 to 100.

GCATCTACGATAGAAGACCAGGTAAACACATTTTCCGATCGGCATGTTCCCAACGAACCTC
ACCTGGTTTCGGCGGACTCAGACCAAGGTTTATGATCCCGCCCGCAGCAACTGCTTCTTC
GTCTGGATCTCTTCGAGTATCTTGCGGTTCTGCTCGGCTTGCTGGGCATTTGTGGTGGGA
AAAGCCATCAAATAAACTAGTAAAGTCTGAACTATATCAAAAACCTTCTGTAGACTGCT
GCTCCTGCCGCTGCCTTTGGCATTGTTGCGAGCAGTGTGGTCACACTGGCGAGTACTGTAG
TGTGGCGGAAATAGTAGCGGTATTCGAACTGAACCAATGTGCGAATAAACAAAAAATCT
GCAACAAACAAGAGTGTTAAGCGAATATTGAATTTGTGCTTAATATATATAATTTGTA
TTTAATACAAATCAAATATTAATAATATTGGTGACCTTTTGGTGCCACTTAAGTTTGAAG
TATTATTAGCATTCTCTATTTGGTCACTCTGCAAGTCTTACAACGTGAGCAGACAACAA
CAAAATTACATGTTTATTTGGAATAATCACAAAAACAAAAAATACCAACTTAGTGGA
>EP77556 (+) Dm ELONGIN-C; range -499 to 100.

CCCACACGCGATTTTCATGAAGCTGGAGTGTAAAGTTTTTGTGTTTTATTCAAAACTTAAA
AATCCACTTTGCATGTGTCATAAATAATGAGTCATGAATCATAACCTTAATTCACTTTAA
TAAGCATAATTAGTTTCTGTTGAAATATCTCTATTAACCTACTTCTGCGGAGTAGATAAACGT
GATTTGCTGTTTTAATGCGCATATGTATTAACAACATATTAAATGCACAATTAACCTGTG
GTCATAATAAATTATTAATATTTAGCAGTGATTAAAAATTCATTCTTAAAAAGAATATTGG
CTAATTTAATAGTTGTATGGTTCTTATCTTAAATTTACAAGTTTTTGATCTAAATATATT
ATTATTAATATATAAAATAGGAATTAACATAATTTTGCAATAAAATATTTAAAAATCG

ATAATTTATCGATTGACAACACTGCGCTGCCAGGGACGCCAAAAACAGTGTGCACAGTGT
GTATTGATTGTGTGTGTGTGCGTACCGTGCGGCGGTGTGTGGGTGCTACTGACTGATA
TTTGACAAGTAAGATAAAATATAAATATTAGGGCGATTTTCGCGATCCGTGCTAATCCCA
>EP77557 (+) Dm P38A; range -499 to 100.

GTGTCTCTGACTATTTTTCATTCAAAGTACACCAAAAGTGAACAAAAAATGGGTGAGGG
GATGGTGTCTGCTCAAATTTGCAGGAAAAACAAGAGACAGCTGATTCAAATACTTATTCGA
TAAATTTCTTATTGAACTGTGACGTGACGGTCTGGCAACGCCGTGTGTTTATTTTCATTTA
AACGCTCTACACTCCAAATTTTACGGTATATGGGCTTTAAAAATATATTATATTACCTAA
TTTTTAGAATATTATTAATAAACTAACAAAAATTATTTAATTTTAAATCCCTTTATTCACATT
TAAGGACATCGATAAGAGTGGAAAAAGAGACTTGTTACAATGCAATGATATGGTTAATAT
ATTATTTTATTTATTTACTTATATATTAAGGATTTTTTTTTAATATCGTGCCAAAAATGAT
TTTAACAACCTTTACTCTGATCAAATGTAGCGCATTCTGTGTGCTTCTGATCGATCTGA
TCCACTGACGATCTGATTCATGAATGCCTAACACGCATCGGAATGGAGTAATAGCGCAAA
TATAGGAAAAATGCCAGGGACCACTTACTAGTTGTTGATATTCTTGGGCGTGGAACAGAG
>EP77558 (+) Dm MPCP; range -499 to 100.

AAAATTATCCAGTTTTTACCATGGGGCTATAACTTATAAATTTAAAAATGTACATATAATTG
AAAATTGTTATATATTTTACAGAGAGTTCTAAATACAATAAAGCTTTAGATTAAAAATTTG
TTTTATTGTGTAAAAATAGAAAAACAATCACAAATACTATGCAAAAAATATGAGGATTTTA
CAAATGAATTTATTATTTTTTCAAAATATTTTACAATAATGTTATCAATATGAAATTAAT
ATTAATAATTAATATTTTATTCACAACGAAGGCAATGGCATTAAAATAATCTCACCTGAT
ACCTCGTATGCAGATGGTTCGAGTCCACGCTCAGGCGCCACCAAGTTTTGCACCAAGGT
TGCAGTCCATAGCCGAAGATTTTGACATGAGTGTGGCAACTATCCTCAATCCGCTAGTT
ACACCTCTCCACGGCAAAACCATTAAAGGCGTTTTGGTATTCGTGAGAAATCGCTGCACCT
CCGTGAGCCCCCTCATTCTTTGAATCCTCGCAACGAGCCGCTAACGTTGCTGACGAA
TAGTAAGTGCAGAAAATTCGAGCGAAAATTCATAAGTTTTGTAAAATCGAAATCAAAGT
>EP77559 (+) Dm ATPSYN-BETA; range -499 to 100.

ATTCCAGAGACGAAGAATCAGGGCAAGTTTTTTCATCGATGCTGCAACGCACAATCTATT
GCCACACGCCGCCCAAACTGTACGCCTACCACTATTAATATCATTTTTTGTCTATATA
TTTTCCAAATTTCTATCCATAAGCCATAAAATAATTTAAATTTCTCTTGGCTACTTGCGTT
CTCTCTTGTTTTACTTATTTTTGTTGGTGCAGTTACCTCTACTCAGCCACATCAGCTTGC
AATCCATTAAACCACCTTTTCATGGGTGTATCAGTCGTTAGTGTGCGGCAACCACAACAG
TTACAGTTTATTGTGTATATATAAAAGTGGCATTTCGACACTCTCCTGGTGCGGTAACAA
CAACGTAAGTCCACATTATGGTCTGAATACGCAAAAAATACTAAAACCTCGATATGTTTTG
GAAGCGTAAATACTCAATATATATCGCGACTACCGATTTGCTCATCACTAGGACTTCTGCTC
GCCCGCACACTTCTCAGTTAGTTCGAGAAAAATGTTGCGGTTACGTGCTGCATCTAAAGC
CGATAAGAATTTGCTGCCATTCTTGGGGCAATTGTGTAAGTAGCACAAAAATAAAAAATTT
>EP77560 (+) Dm EF1G; range -499 to 100.

AAATTCATCTTCCATCTTAACATAGTTCGCTGCTGTTAACATCGATTAGGCTGCTATTTCG
CAGAGATTATGTTTTCCCTTTACAACACTGTATTTAAATTTAAATTATGAAATATCAGGC
AATACTAAACAGTATGCTAAATATAAATATAAAACGAGATCACAGATATCTTCATAGGGG
AACACTTTAAATTCAAAAAATACGGGTGCTTTTAGAATAAACGCACCTTATTTGAAATT
GGATCTTTCTTACTAACGATCAGTTAGTGGTGGAACGCCTTGCGCTTAACAGCACGCTGT
TATTGAAACCCCACTTATTGGACTTTATTTACAAATTGAAATGTGATAAATAAATATACC
AAAAACGATAATGATTTATGTTTTTAGGTATAATTTAACATCGAGGTGGAATAGAAATCA
TCGATGACCAAAATGGCCTAGGAAATATCGATATATCGCCGTAACCATGATGACTCCTGC
AGCCCTGTTTCCGTCCCTTCTCTTCTCGTTTCCGGTGAGTGCGTGTGCTCCGCGTTTTT
TCGCTGAATTTGCCACTATATCGTATTTAATACTGTATTTGCAGGCAGACGATTTAAACG
>EP77561 (+) Dm QM; range -499 to 100.

GTTTCTGCTGCTTATAACATATAAATCTTTGTAACCTTTATTCTAGGATAGTAACAACCTCT
TAGCGGTCCGTTTCGAAATGACTGCTGAAAAATGGCTAAAAATACAAAACCATGAAGTGTAAT
ATATATAATGTGAATTTTTGTAAATGTTACTGTTATATTTATCTGCCCGAATACCAATGA
CTTAGTTATGATAAGCACAAATCTGGGTTGAAAAACATAAGGTGTGCTTATGGTTGAGGT
AAGATTCTAATTTACTTATTTAGTTGTAGTTTTTTAGCTTTGACGTTTAAATCGCCAAAAA
TATTTTTTATTCCAATAAAAAATGTATCGAAGAACACGAACACATACATATTTTACAGTAT
GTAGATTTTAGTGAGAACAACATATAAAGCAATTCAGTTTTGATTTCAAATTGTTTCAAA
ACAAAGGAAAAACACTTATCTCAAGTACATGATTATCGGTTTGCAGCAAAACCTTTTGTGC
TTCCGGTGTTCTGTGCTTCTCTTCTCGTGTGCTTCGTTGGAAGAGGTTAGTGAGCGGTA
AATGATCTTTGGAATCTAATATGTTTCATGTTTATAGAAGTTTATATTATCTTACCAAG
>EP77562 (+) Dm PDH; range -499 to 100.

ACATACATATGTAGATATATGTTATGTTTTCAAGAATTTTGCTTGAATAAATACACTT
TAAATATTTGCATTGCTAAAATTTGTATTGGGAGGAAATACAATTTAAAAAACCAAAAT
TTTAAAGCAATTAAGATGGTTTTGTAAATCGAAATATACATTTAATTGTAAGATCTTTGA
AAAATGCCAACATGTGTACCTTCTTAAAGCAAAGATTTCACTGGAAGATAGTTATTAA
GAGATCATTTGCTTTATCTACACAATGACATTATCACTGATGCAAAGCTGACATCGAAAAA
CCGGAGCGGTGTGAAGCAGACTGAACGCTACAGCGACCAGATGGGGATGGAATTTGATAT

ATGGGCATAAGTTGCATAATCCTAACCCAGAGCAGGTGGAAACTAGCTATTGATTGCAG
TCGAACCAAAGTCACTCAACGATATATCATATAGCCCTTGGGAAATAGGTATAAAAGCGG
CGAACATTACAGCTCCAAGTCAGCAGTGCAACTGAGGAGCTCAGTGCTTGATGAAGCCAC
AAGGAATACCACCGACTACTACAGCAATCAGCCAGACCAAGATGTCCTTTCGCGGCAAGA
>EP77563 (+) Dm INX2; range -499 to 100.
TAGTTCCTTGGTTTGTCTTTTATCTTTAAAAATCGTGCATGGCCGTAATGAACTAAT
CTAGGGTTAATGACGGATAAGGCTGCCAGATGTTTCGATGAAAACGCAGTTGGTTCACTTT
AGGCGTAAAATGCAACGGGATACGAGGCATGTTTTAAGCATATTCAAATTAAGGTTAAT
AATTAAGGCGGTCTTTTTTGTTTAATTCAAGTTTTCGAGCAGCATCACTGAGTCACTCTCG
CCCCCTCTGCTTCACTCCGGGATTGGGAAATGTTACCCTTTTGGTCCATGCCAGTTCAGT
CCAGTCCAAATTCAGCCATTCCAAGTCGCGAGAGCCGGGAGAGGATTGAAAAACGAAACA
AAAATAAATGTAAGTAAGCACTCCATTGTTAAACAAGATCCACCCCAAAAAGATTGCGC
TCTCCCGCTCTCTGAATCTCTCCGCTTCGGCGACGGCGTTTAGCGCAGCCAAGCGACTTG
TCCCAGCGGAAAGCCAAACAGTTTGAATTTTCTATCCGAAGAGTGCGCTTAGTGCCGCTG
CTGCGACGGCGTTTAGACTTCCACCTGGGTAACCGTCGCCCCCGCCGCCCTTGAAACA
>EP77564 (+) Dm BCDNA GH08312; range -499 to 100.
GAGGCAATTTGCGGGTGGCGAAGGCTTTGTTTGTGATTGAGTGAGTGATTAAATAAATTG
TTCCGACTTTAGGAGCAATAATTTTCTTCTACGATAATTGAAGTTATAATTTGAAGGACA
ACGTATTCAAGTACTCCATGTACTTAACACCCTATAGAAAGGTGGCCCAATCTAATAGT
TTCATATCGGTTACTTAATTGTTTATTATACCATTTTAAAGTTTAAATGATTGCTGACCCC
ATTTTATGATAGCTTCTCGGAGGTTTTTATGGCTTTTTGAAAGGCAAAAACAGATCTCT
GTTATTAACAGAGTGCGGTTTCGAGTCCATGCTCCCCCTGATTGCTAAGTATACACTGGG
TTGGTTTTATGCTAAAAGCATTATCCAAGTCTTGCTCCATAAGTATCGTTAAATAAATTT
AACATAAATTCAATCGCTGACTGGTCGCACTATTATATCGCTACGGTATATATTTGACGA
AACAGACGGCGGCCACACTACAGACAAATAAAAAATTGAACCAATCGTTGCAATTGCACT
TCAGTTTTCGTTAGAAATAAATACGTAGCTGCAATAGAGGACTATCTCCGCCGACATT
>EP77565 (+) Dm IDGF4; range -499 to 100.
AAAAATCTCAACCACTTTAAATGCAATTAATGACAAATCTGTAAGGATTAAGTGAAGTGA
GAGCTAAGAACAATATTTCAACCCAAATTGGTGAAGGTTATTTGCTCTGCGATGATTA
AAGTTTTCAAAGCTCTCGAAATCAATTGATATTCTTCCATCATCCAGATCATTATCGTTT
ATCAATATGCGTACTTATGAGTCGCCCCCTGTTTCGAGCTTGCTTCGCTTGTTTTTGT
TTTTCCACACACATTTCTAATTTTTTTGTTTTGTTTGCCAAAGTTCTCTATCTCCATCT
CTATACCCCTCTGTTCTGTTCTGCTCCGATCTTATGTAATTTCCAAGCCGAGTTTTATTCTC
GCTGCGTTTCGTTTGCCTTCGCTCTTCTTCTCGCTCCCGCCGCCGAGCTTCAGCGGTCTCT
CGCTCTTCCCTCTTCTGCTTTCGCCGGTTTTCGTATTCTCAACGAGTTCACTTAAAGTTTGG
ATCACCTCCGCCGGCGAACAGTTTCAGTTTTTACCTTTAATGCGAGCACAACAAGTCAGTG
GAGAGTCATTCTAATATTCGTTGGTTTTTTTTTCTGTGATCTGAGTTCTTTGCGCCG
>EP77566 (+) Dm VHA26; range -499 to 100.
ATCAGTTTGACCAAGGCGCTCGCGCTCCTCGTGTAGGCGCCGCTGTTGCTCCAGGAGCGTC
TCCATGGCTCTTGAATGCGAGGATTTAATGCGGGGAAATATCAAATGGAGGCCTTTCACT
TAGCGAAATCCCGAAGAAAACACAATTTTCGTCAGCGTGTGTACATTAATAAATACTACT
TACAATAAAGCAGGGATGGCTTATATTGTCACATCATATTATTGTCAGGTTATTATACTC
CGATCACACTGGCAATTAATGTGGATTTTCGGGAATGCAGATGTATCAAATTAACGCTCGA
TTATTCGAGTAATATAGTAATGATATTTAAAGAGCCAAATTGATTTTTTATTATCATATA
TAGATTATATCGCATGATTTTTCTACCTAGTCGATTAAAGTGAAGCCTCTGTTACAAATG
CGATAACAATTACATCGTCTATCGGTGGTCTGACAGCGACAACAATAACATTTTTACC
CTCGCAATCGCAGGGTCACACTTTCTGAAATCATATGATCGATTTGCAGTGAAAATTTT
CAGACGTTGGGCAGAAGGCAAAAGTAACCTATCGTTTTCCACTTTCTCGTGTGGGCCG
>EP77567 (+) Dm PMM45A; range -499 to 100.
TAGAATGTCGAAAAAGTCGACTCGATGTATGCGATTTAAGATTCATGTATGCATCTACAT
ATTCATTTCAAGTTACCAAAATCTGAAATAATAAGGGTATGCAAATGCATCATAACCCACA
ATTACAATGCCGCATTTAATTCCTTCTGCGAGATTATATGTTACTTTGCTCATATTTTCA
ACAAACATAGGTCTTTATATAAAACAATCCACAAATAGTGGTTACTTGACGCCTATAAGT
CAAAAACCCATTCTCTGCCGTTTCCCATGCCAATTGAATTTAAACTGCCTAACTAAGA
ACTAGACTTGCTAGACAACACTAGACTGTTTATATCTGCCCTGTGTTTAAAGATAAAAGTAC
AAATATTTTATTATTAATTTTCTATATAAACGTTAATATGCCATCGTTAAAAGACGCAC
TATCGCCAGTCACGTTGTCTCTCAAACTCACGGCATAAAAAAATTTGACCGGGGTCC
GCTTTGTCAAAATTTGCCGTATGTTTATAAAGGGGCGTGGCAGACTGACTATGTGTATGT
GGCCGCATCAGCGAACTTTATCAGGCTAACACTACGTGATCGGTGATCTTCAATTGCG
>EP77568 (+) Dm CG14648; range -499 to 100.
CTTGTTTTTTTTGTTTATTACATAGTCTTAGTCGCATCACTAAAGATTCTTTTATATTTT
TATATAAAACATTCCTTAGGGACCTTGCAAGAGTTACATTTAGAAAATCCTAAGCCGG
GGCAGGAGCCTGTGTTAATTATAGTTTATCCTTCGATTCCTTTATCTACAAGAAACATAA
ATAAAGAAAATAATATAAAATTTATCTATTTTTAGTTTTAATACCTTATTCGCAGTGAT
CACAGCTTACAATTTTACCGAACTATCTGGGTGGTACTCGATGTTTATTAAATAATATA

TAACAATTGAAGCGAAAAAAGATGATGGACTTGCATGTAGATCTAATGTATATTGTCGGT
GGCGTGATAAGCTCAGATGTATAACTTTTATTATATTTTAGCTAGAACCATCGCAAGC
AACTCTATACGAAATGTATCGATGTATCGCATCGGCGATGTTTTTTACGTCACCAGAGA
AACGTCAATTTTCAAACGTGGTTTGTGGGAAGCCAGCGGAGAACGGTAGACGTTGCTTGT
GAACTGTGAAGTGTAGCCGTAGCCTGAGCCGGTAAAAAATTGTGAGCAGAACTAAAC
>EP77569 (+) Dm CG3662_1; range -499 to 100.

AACGCACTCTATATCACTTCCACTTTCCACTGGGCTATTGCACTTTACACACACTTAAAA
CACAACCTTTAATTATAATACACCTAGGCGTGAGTGTGTGTGTGTGAGTGGGGCGGGGTG
AGCCTGTGTGTGTGTACATATGCTGCTGCCGCGATTGAAAAACACACAAATCCTGACAAA
TAAACGCTTTTCCACGCTTCTGATTACCGCACACGTTAACTGCGTTAAGTGGCAAATTGT
TTGCACAATTTTGCAGCGCTCTCTTGCGGTTAACTAATTAAATTTTAAATGATTTTGCCTG
AGCCGTTTCTTTCACGTCGCCCATCCGATTTTCGATGTGCGGAAGGCGATAGCGATTGACC
ACGACCAGGGCTGTGAGGTGGCGTATCAGCGGTTTTCTTAGCGAACTATCGATAAGCAC
GTTGCGCGCTGTGCAGCACTTGTCCGGTTCATCGGGTCTATCGATATCGGGTGGCGTTTTT
GTTATGATTTTGGATTACATGGTTGGTTTAAACCGAAATACCATGCTGAAAACTCGGGGT
ATTGTGCTTGGCATCAGCAGGTGCTACACCGCAAGGCGAAGAGGGGTGTGCTGGCGCAG
>EP77570 (+) Dm CG3662_2; range -499 to 100.

CATGCGGGCAGGGGGTAAGGGGAAGCACGGGCCACAAGGACACCAAGGAGTGCGGAGCT
TGGTCGGGGAATAATCGATGGCGAGCTGCTGCTGCTGAGGCTGTAATTCGGAATGGATTTC
CGAATCGGAATCAGCACCAACCAACCCACCCATCACGAGACTTGTGGCTCTCGGGCCGCAG
GACGAAGGACACGGTGGCGGGCAGGGCGGAGGGATGGACAAGGACATAGCACGATTGCG
CAAAAATAAGGACACATCCCGCAGATGCGATGCCAAGCAAACTCACTGCGATTAGGGAG
CCATGGTGCATGAGCGCTCGTCGTTGAGGTTTCATGGGCAGGGGCACCTTCTCTGCTCC
GTGGGCTGTCCCGCAGTTTTCCAGAATTGTCATGGCTGCTCGTATGCTGTGTTCTTGA
TGCTCCGCACGACCAACTTGTTTGTTTTACTGAAAATTTAGTGCGCAATTGTTGACGA
GCTGAAATCTCGATCCAGACAAGCCAGTGTGACCAGTTCTAATTCGCCTTTCAAAGATG
TGGACAAAAGTGAGGCAACTCTAGAGTGGTTGCAAACTTGAAAAAGACGATTCGCCGCCC
>EP77571 (+) Dm PNUT; range -499 to 100.

CCATAGAAATTAATTCCTATAAAAAATGGACAAACATAAACTGAAAATGTTTTAAATAA
ATATAGTTCGATATGTAGTCAAAAAACCCCTCAGTAATCCACCCCTGCTTAAGGCAAAAG
TCAAAGTCATCTAGACGGATAATTTCTTCTGTGCATCAGCGGGCGATTGTAATGCGATC
CGTGGCCACTCCAGTGCAGTCATTACAGCCAGAAATCTGGAATCCCAAGTGTGGGACAC
ATGAATGCGTTTTATTGCTATTTTTAAACATAACATTCCATTTCAAGTGATAAGGCCAC
CAGAAAATAGTTCTCTTTTCCCGTTTGCATGTGCATTGCTGCGGCAGTATGGGTGCGTGT
ATCTCTGTGTATGTGTGCGATTACTCATGCGCTCTCACTCCAAGCGTCGTTTGGTATA
TTCGCGGCTCTCGTCCGGTATTTTCCAGGGTCACACTGCGCCTGAGCTGGGGCGTTGTTG
TTGCTGCGAGAGCGGAGCAGAAGTATTTATCGCGTTGCAGCGACGGTCTACTGACAC
AGAAAATGCAAGAAAAGTAAGAGCGTAAAAGAGCTGGCGTAGGCGTGACAAAAGCGGTGA
>EP77572 (+) Dm RPN6; range -499 to 100.

GATTGTGGGCTCAACTCACCTGGGCGAAGAGCTGCTCATACTGGGTGTATTCACCGCAGT
GGCGGCGATACCACTTGAGCACATCGCTAACTGTCCACAGGTACACTGCCTTCGGTCGCG
TAGTTTTCTGTTCTGTTTTGTTTTGCGTTGAGTTAATAGTTTCTTCACCCATTTACAAA
AAACAAATCGAGAAATTTAAGATTTATTTGCAAAATAGCAACAAAACAAATAGTGATGGTA
GCTAGGCGATATTAATTAGGTGTGAGACAAGATATCGATTACAGTTGTATTACTGTAATG
TAAATATAAAAAATGTAAATTAGGGGTGACACAATCGGCCGATAAGTTCCCTAATCCGA
CTGATTTAAATCAAAGGTATAAACGATATCCTAAGAAATTCACGAGTTGTGTGCGATATA
TCGACAACAAGCACTAGTACGACATTCGTGGCCTATCGATGCCCCGTAAGACTCGCATAT
CGAAATCGCACCAGCTCTAATCGTGACTGGCGCTTAATAACAACGACCGAAAGGTGAAAA
AGTCAGCATTAACACGTAATAACGCAATCAATACACACCGGAAACGATCGAACACAAAG
>EP77573 (+) Dm CG1648; range -499 to 100.

CACCACTACTGATGGATTTTCGAAAGTTGCTGTTTTGGTATAGCTCACTAATGCCATTAT
ACCATGGTGCAACAATTAGGGTTTGTGGTAAATTACCTTTCCATATTATTTGATATACC
TTAACCTAAGCAGGTACCACAATTTTTTGTAAATTATAATTTATATATTAATTCCTCAT
TTTTTTTTTTTGCAAAATTTCAAATCTAACTGATTTTTTTCTTGACAAAAGTTGGCAGCA
CCGTATATGTCTAACCACTGGTTCGGTTGTAGTACCCCGACTATCGCTCTCGAAATAGAG
CGCCACCTAGCCGATAAGAGTGCAACCACTTTACATCCACCAAAGGCATTGCCAACTGTA
AATTTTTAGACACTTGTGGACTATATTTCTTACGAGTGGCGCTCTTCTCTAGTTTTTAG
TTTGTGTGAAACGTAAACGTAAATTTAGATCATTGAACGTTACGTTGAACGTACTGTGACT
ACGACTCCACACGAGTTTATACGTTTCTGTGCTCTCGACGCACTCGGACGTTTAAAAATA
AACGCGCTCCACCAAAAATACCTAGCCCGCTGGCCGCAACGCAAAATAATCTGAACAAA
>EP77574 (+) Dm EIF-3P66; range -499 to 100.

CGATGTCAAAAATTGCAAGAAAACGCGACAGGTGAACGACATTCTGAGGAAGTACGGCAA
GGAAACGGCCAAGGTCTCATTTACAGGGAGTGCCAGCCGTAGCTCTGGATAACGTGAGTTT
AAATGCGAAAGAAATTCATGAAATCTAAAAAAAACCTTTGTGATTTTAAAGTTTATAACG
CGGATCTATCAGCAAACTTAACTGATCATTTTGTGATGCCATTTTTGCGCCAAGTATAAGG

AAAAGTTC AATAAGCAGCTAAATAATTGTCAATAAATATTGTGTTTCATTTAACAATACAT
TTTTTTATTAAAAAATATTTTTTGCAATTTCTTTGTAATTAAATCGTAAAAATCAGGTTCT
GAAAAATGAATAGTTTGAATTTTTAGTTTTCCCGCCAGCAGTGGCGCCATCTATGACAG
CATGCTGCCAGACCTTTGAACATTGCTACGATTTTAGTATTTTTCTTTGGCGGTGGTAT
ATTTCAACGCGACAACGGTCCCACTCAACTATTTTCGCAACACGCGACGATACGAATTTT
CCACATTTCTTTGTTGATTTCTGAAAAATCGCTGTATATAGACCGAATAGCCGACTGCAG
>EP77575 (+) Dm BCDNA RE23595; range -499 to 100.

CTTTGGCAACGAAGTGATAAAAAATTTCCCATAGTTAATTTTTACGAACATATATATTT
TGTGGTCTAAGGCTTAAGGCATACTAGTACGTCTTTTTATGAAATACGAACATCTTGAG
ATAAATACAATTTTACAAAATCTACGTAGTTTTGTAGATCTAGCTAATCAAGTGAGAAT
AACACCATCATGTTTTGTGGAGTTTCAGTGGAGTTTTAATGGCAAATAAATGAAAAATCT
GAGTAAATTGTTAAGTGGCGTTATTTATTTGGGTGCATACATAAGCATAATAGAAATTTT
ATTTCACAACTTGAGAAAAATAAAATGATTTTCGGACTTTATGAAATTTTCGGCATTTA
TGAAAAATATAAAGGAGATTTCAAATCTCGATAAATTTGGGTTCAGTTCTTAGCTAGTTG
CGCATCCAAGTTTCACACCTTGTCGCGTCCACATTTTGAGGTATCATGCTTGATCGAGC
GGCGGTACACATTTTCGCTCTTTTCGATTTTTCGTTCCGGCGGTGAAGTGTACAATTTT
GTTGCTCCACGTTTTTTTCTATTAATTTATATTTATCTCATTTTCACGTGCACAGAATA
>EP77576 (+) Dm CG8430; range -499 to 100.

AAACCAAATAATTGTTTAGCAAATAAGGTAATCATCCGGGGCAATAAAGAAACATTTTA
AATCACTTTCTCGATTGCGTTAATTTTTCTGGACCGAAAAATTTTTTAAACTGGCCT
TGATATTTTCGTTTTGAGTTATTTGTTATTTTACTCCTTCTGAGATTGTTGCTTCAAAT
TTCAAGCAAACTGGCGAAAAATGTTTATTATCTTAAACGACTTAATTATCCCGTTTTAT
TACAAAACCTCCAGGTAGGAACAGCTCTTTGAAGTCAGTGCAGTACGCCCCGAAACATGAA
AATCGAATTTTTCTGAAAATACCTTTTATTTAGCCATAAACGCCTGCAAAATATAAAAT
TCAATTAATAATTCATGCAATCAGAAGACATTTTTTCGAATTTCCGTGTCATAATTTTTT
CAGTAATTTTTTAGTATAAATATCGATAATTTTCATCGACTGAGCTTTTGTGGGCCAATTT
GATTTAGACAAGTGCAGCCACACTACTTTTGCCCGTCTTTGCCGACACTATTCCAAATTA
ATTTATTTGTTATTGTCGCTCCGTTTGACTTGTTTCCCAAGCTATCCACGATGTCCATC
>EP77577 (+) Dm TPR2; range -499 to 100.

CTTTTCCTTACTTGTACTAATCAAATAATTTTTAACAGATTTTTCATGCCGAATGATTA
CAATCTTATTTGGATGATTGATAGAGCTTAGGAATAATGGTTTTAATTTTGATTAAAG
AGTTGCGATTAAAGAAACGAAGATATTATCTAGTTTTTGAAGAACACAGGTACTTTAAAT
TTCGCACGCGGAACGTCAAAACAAGAAGTTTTTCATCAACACTGAATTTCCGTTGGT
AATCAGCTGATAAGCGTGTCTACGATAGCCGAGTTCACATCCAACAGATGTTTCCCTTAG
CAGGGTTTCAGACCCAAATGATGATTTATCTTATTTTGATTAAGCTCCAACACGCATTGC
TTTGACATAATTCAGGTATTATTAGGCTGCTTAATATACAATCCACTTATATTGTTGTGTC
CATGAGGAACATCGACACGTGAGGATAAAAAATTTTATTTATCGATATATTTTACTCTT
GAGCCTTTTGCACACCCCTAGTTGTGTTCCACCACTACTTCGCATGGCACGCTTTTTTCC
GTGTGCTCGGTTGTTCCGCCATACAAAACACAAAATTCAGTTTTAAAACTAAATAGGC
>EP77578 (+) Dm CORO; range -499 to 100.

GGTGCTACGATGCCTGATAAAGCCCGAGAAAGGTATACACCTTCGCGACTTGACAAAAC
CCAGCTAAATTAATAATATTTTCAGGTCCGGAAGAAGTCGGTCCCGAAATTCAAATGAGAC
CCGCGCAGTCAGCTGTTTAGGGCTACCATATTTCCCGTCAGGGATGCATGCGGCCACCGA
CAGACAATGTTGCTATGTTTTCGCGATTTTCTTAGTTCGACAGCTCTGCTGGTACATAA
TTAAAAAATATTTTACTGTCTTGACTTGATTTAGATAAGAAATTAATGATAATAGAT
ATTGAATAAGCAATTATTTATTTAAGTGGTCAATAAAATTTGTCCAATTGGGAGCCTT
CAGCCCAACACAAAACATAGCTGGATCTAGCTAATTCATGGCAGTTTCGGCCCAGGTGG
CAACGCCACGCGGATGAACGCAGCGCCCGGTGAACGTGAACGCGAAGTGCCTGATATCA
ACAACCTTGCTCGAACAACAGTGTGCAACTTGCTCTTAGATGCTCAGCGCGCTCTCGTGC
GCATTTTGTAAGTCTGCTCCCGTCTTTCTGCTGACTGAAAAGTCTGAAAAGAAGTGCTTAAG
>EP77579 (+) Dm UEV1A; range -499 to 100.

GCTGACTCAGTCGCTGGAAATCGCGCTCGATGTCCTTTACCACATTGTTGGTTTGGTGGT
ACAAGCTCTCCATGTGCTTACACCTATTGATTCGCGATTAATTTATGGGCCCGAGAATAT
TCGCAATTAATATTTAATCGGTTGCAATTGGTTGTTTTTAAAAAGCTGACGCGTTAA
CATTGGACAGAGTGTGATGTTAGTTAACAGCACTGATAGCAGAGCAGCTGGCTGCCGTTT
TTGGTATGACCATATATTATGACAACTTATCAGCTAATGCAACTATTAAATTTCCTTTT
TATTTTCAGAGAATATGCTATATATTGTTAAATAATGATTTTTAATTAGTGACCAAATAT
TGCACTTGACGCGCTGTTAAGTGTACCACTGTTAACGGTGTAAAAATCAGAGTTGTTA
AGCAAGCCAAGCAAAACCTAAACCGCACTGGTCACATCGCACTGGAACGCGTTAGCACA
CTTTTACGGTATTTTAGCACTTAGCATTAACCACAATGGCGAATACATCAAGTACCGGCG
TTGGTAAGAAATAAAATGATAAATTAGCAATTTGGCAGCTTAAAAATGCGATCCCCGCA
>EP77580 (+) Dm CG4300; range -499 to 100.

CGCGTTCCAATGTTGTTTACACCCAAAACTCCGAGCAAGTGCGGAACCTGTCGTGGGAA
CTGCGATTTAGGGGTGGCAAAAGTGGGCAGCCAACCTGCCGATAAGTGGGAGCACGTATCG
ATAGGTGCGGGCGGGGGTGTTCAGTGGCTGGGTTGTGACACGATAGATTTAAAGAAATA

TTTCTTAAATATTAATTAAGATTGTATTTAATTGTGTTTCCAGCAAAACGTACCAATGT
AATATTTATTAGGTAAACATACATAACAAAGCGCTATATATTCAATACAAAATTGTGGGC
CAAGTACCCTTCAAAAATTTATTAAGAGGAATTTATAACATTATTATTAATGTACTTTA
TTATTTTTTACAATTATTTAATAAACCGTTTCTTATATTAATAAATAAAGTTTAA
TTAACTGTATTATACAGCCACACTAGAAGTGAATCGAAATCGACTTGCTATCGGTGCTC
GTAAGGCGCATCACTAGTATTTCTGTTTCGGTCGGTACGCGGTTTTCAGCGTTTTTGTCAAC
GGATTAGCGCAAGTTAAGCACGATGGCGGCCAGACGATACTGTTTGATTTCACGCTGGA
>EP77581 (+) Dm ALPHA-EST7; range -499 to 100.

AAGTTTATGACACCTGGTTTCTTAATAACTGAGATACTTATCTATCTCGCAGATACTTCA
CTAGAAACTTCACGCAACCAGGTAGTGTTAAGGAAGCTGTGATTTTATGCATGCTACGT
TAAAAAGAGAGATTTTTTTTCGCAGTGTTGATTAGTTATGCATTTCGCTAGGAGGAACCTGC
CACGCCCCTGGCCAAGCTTCCAGCCGACTGCCACGCTCGATGATCGGATCCAGTCATA
TCAGTTATTCGGTTTATCTCGTCACCGTACTTGAAATACACAATTTGTTGTATTCTGTCT
TCTTTTTTGTGTGTTTCTTCTCTCTACCGCTCTCCACGCTCTTCTTGTTTCAGTAATT
TGATTCTGATATTTGTGTTAATGTAGTATATTTTTTTCTATAATATTTCTTTACTTG
TTTTTGCTTATTTGTGGGCTCTTTTCGCTGGCCGCTCGCCGCTGGAATTCGATGTGAAA
AAGTGTGTTTTAATTTTCAGTTTCGGTTTCGGAGCTGGCGCGATACAGTACGCAGCTCGCG
CCTATTAGTATCTAGTATAGCAAGCAAAATCGATCGGATCGTGTGGCGGTGCTCTAGTCA
>EP77582 (+) Dm IMMT; range -499 to 100.

ACAAAACGCAGGTGCTCTTCTTCTTATCGAATCGCGTAACAGTCAGCTGTGTGCCATTCA
CAGCGAACAAACATAGATTAGCTTGCTATTGGAGATGGGAACCGGTATCATAAGAATA
TCGCAATGTTTTGGGATTCACCCAAGGAATGGATCAAGTTCAATTTTTCTGTTGATAACA
ATTAAGGCAAAAGGATCCCTTAACCATGTAATCCATTTGTAGAACACTGACAATTCTGAC
AATTTAAACTTGTTATAAAAAATTGTTGCTTAAACTTATGCGCCCATCTCCAAATCAAAT
GTATTTTGACTGGCCTATCGAGTACATGCGTATATGTTGCCGACACTTTTCCATCAAAA
CACAAACCAAAATTGAGTGATCAAATTCGAGTGGCGCGGCAAGCGAAACGAAAAGGACG
ACGAGCAGCACGCAAGGACTCGTGTGCGTGTGCGTGGGAGTGTGGGGAATGGAAGAGGAAG
CAGCAGCACTGGCCAGCCATTCAACCCAGCGCTGACGCAGTCGAGCCAGCTTCGAACG
AATTGGGCAATATTTAATTCACGCCGCCGGGACTTGAAATTTACGGTAGCCGAAGGAGCA
>EP77583 (+) Dm TISCC1; range -499 to 100.

TCTTTAAACACTTAAAGTTGCCTAACTAGTGAATTATGCGCTTCAATAATGTTTTAAAA
ATAGTAGAAATTGGGACAGCGCTGCCAATAACTTCGAAAATTTAAAGGCAATCCAGTGGC
ACCCTGGCAAGCGAGTAGGTACAGGTGGCACCTCTACCAGTCGAGTTTGACAGGTGGC
ACCACTAGCAAGCGAGTTGGCTCGATTAATGTTACTTGATTTACTATCGACTATGCTACT
TGATTTAAAGGTATTATATGAAAAAACTTTCATTTCAAGTTTGAAGCATTTTTTCTTTTA
GCTAGGTAAAACTAACCGACTACAGAATAACCATTTACATATCTTAGACTCAAACGCTC
TGACAAAAGAGCGCCTAACGGGAGGCCAAATGCCGTTACCAAAAAGCATATATGACGTG
GGCATTTTTCTGGCTGACTCGCGGCTGGTCACACTGCCGGGCAACCGAATCGAAAAACGG
CGATTCGACATTTTTGTGCGAGTGTAAGGTTTCGATTCCGATCTGGCTGGTTGTCTGACGG
ACGTGCTGCGTCTATTTTGTGTGTTTTTTTGCGAACGAGCGAAGAGCGACAGGACCTCT
>EP77584 (+) Dm ND42; range -499 to 100.

CATCGTTAGAACTTTTGAGCCCAAAATGCAGCGAGGTTGTGGTCAGGGCTGCCAGACCAA
CGGAAAGTGGACCAGTTGTTTCTGCACCGTGACAATATGTTAAGTTAAAAATTTAAAAAA
TCAACTCGCACCGCACGGCAATGTGAGTTTATGGTGTGTCTGTCTACAAATGAAAAGC
ATTGTTGAATTTATTTCAAGTAAATTAACCTTGAGTTAAACACCCAGCTGTGCTGTGTA
GTGTTGAGCAGTCGCTTTCGATATTTTTAAAAAGTAAACAAATACATTTATACATTAA
AATGTTATTTTGAAGTGTATATAAAGTTTTTAAATACTGGGTTAAATTTCAATTCAT
ATGAAATTTCTTCTGATTCTGAGAAAAGTCGAGTTAAAGCATAGACAAACATTTTGATT
TTACATTTTGTATTTGAACGGATACCTTGACAGCCCTATTCGGGGAGTTTTCCAACAC
CAACCATAGCCCGAAATTTGTTTTGGGTAGACTTCGATATTTAGATTGAAAAGTGAGT
AAATACCACCGGATAGAGCATTAAACCGACAATTTGGGTAAATCTATGGAGCGCCGCAA
>EP77585 (+) Dm MKRN1; range -499 to 100.

TTATTAGGAGCAATTATTTATACAATATACATACAAATGGTATACCCTTTAACACTAATT
AAATAAATAGCCGGGTGGAATAAATCCTTTTGATTAGTAACTGCTTTCTAAGCTTTGA
TAGAATGGGGGAGTAACACTGTAAATCTTATTATTAATATTATCTTACATCATTATGCC
CGTTACTCGTAAATAAGAAGGCTTAGTAGATTGTTATGTATGTAGAAGGATTAAGATGA
AGATTATTGCTACGCCAATTCTAACGGCCAAAACCGTTACGCCTTTCTGTCCAGTTTGA
TATTCTGTCTATTGATATGCCAAAAAATTAATAAATTTCTCGGGTATCTGATAGTCGAA
TAAACGTTCTCTTCTGTTGTGTTTTCTTCTTTTGTTCCTTTCCAGAAATTCCTAGTA
AAATTTAAAAAGCGTTCGAACATTCAAACAGTAAACGGTTTGTGTGCGTGTGATTTTAG
TCTTCAATGGCTTTGGTCACACTGCGGAAAAAATTTGTGAATGTGATCCAAGGTGCATAA
AACGACAAAGTAAGAACTGTGAGTGCTGTGGACATTAAACCAGCTTCGATTTCAAGAAG
>EP77586 (+) Dm SCF_1; range -499 to 100.

GCCTCTGCCGGAGACCACTGCTGCTGGATAGCACAAACGGATAGCCTTATAGATAGCGAAGT
GCCCGGCACAGCTGTCTGCTTCCATCCCCCTGAAGCCGAGGTGTCCAACCTACCGGGG

CTTCTCAAACCTTCGATATTCCCAGCATCTCGTGCAACACGGGAGACTTTAGTTCTCTGGG
ACAGGACGGCGCGGATGCTCCCAAATAAACGTTTGTTCACCTGGGTCACGAATCCTGCAG
CTGTGTGAATGTAAATAAGTTTAAGTGAAATATTGTAGTTAGCCCAACGCTTCAATTCAA
ATTTCTGCACATATTTATTTGTACCATATTTAACTAGCTTTACAGAAAGGACGTTTAATA
AATGCAATCTAACACATACACAAGTTGTATTGTTTTTACAATAAACGTTAACTAAGTT
TAATTTCTTTCCAGGGGTAATTGCATGATTTTCAAAGTCCCGCCAACTGGGCATCACT
TATCCAATAATCTGGCAGCACTAGAAAAGTAACAAGAGAGATTGTTGTTTTCGAAATATC
TCAATCACACACGATTTATTCTCAGTTTGCCTGCCGAACCGAACGGACGTGAGCGCTCAC
>EP77587 (+) Dm SCF_2; range -499 to 100.

GTGCCCCGGCACAGCTGTCTGCTTCCATCCCTCTGAAGCCCGAGGTGTCCAACCTACCGG
GGCTTCTCAAACCTTCGATATTCCCAGCATCTCGTGCAACACGGGAGACTTTAGTTCTCTG
GGACAGGACGGCGCGGATGCTCCCAAATAAACGTTTGTTCACCTGGGTCACGAATCCTGC
AGCTGTGTGAATGTAAATAAGTTTAAGTGAAATATTGTAGTTAGCCCAACGCTTCAATTC
AAATTTCTGCACATATTTATTTGTACCATATTTAACTAGCTTTACAGAAAGGACGTTTAA
TAAATGCAATCTAACACATACACAAGTTGTATTGTTTTTACAATAAACGTTAACTAAG
TTTAATTTCTTTCCAGGGGTAATTGCATGATTTTCAAAGTCCCGCCAACTGGGCATCA
CTTATCCAATAATCTGGCAGCACTAGAAAAGTAACAAGAGAGATTGTTGTTTTCGAAATA
TCTCAATCACACACGATTTATTCTCAGTTTGCCTGCCGAACCGAACGGACGTGAGCGCTC
ACGAGAAATGGCTAGAACCCGAATTCAGATGCTGCTACTTGTGTTGCTGCTGACGGCGGT
>EP77588 (+) Dm BCDNA RE25263; range -499 to 100.

TACCTTAATGCCACACCCACTGTTTAGTGTTTTAAGCTCTATCACAATAGATTTTAAA
TAAACACATGCTATAGTTCAACACTTTGGGTGCTTGGCCAACATTTAAAGGTTCAAAGA
GCTAAAGCATAGAATCATATTAAGATTGTTGGCATTGCATATGTTTCGCATCAATAAACG
CCGTGCCATCTAATTTTAGCTTAGATTGTTGCTCGACGCATTATCACGATTTAAAAAAT
TTAAATTCACGCACGCATACAATCTTCAAGAAGGTTGGCAACTACAAATATTCGAAGTCG
AAAACGGCGTTACCAATCGTCATAACTTTGGAGGTTGTACTGGCTAAAAGATAGTTTCGG
TGGTGTCCACGCTAATTGTGGATTGTGTACACGCTAATTGGTATTTTAAACCCTATTTGT
ATTAATTGGTGGTATTTTCTCGCATCCCCCGTGGTCACACCAACACAAACGTGGTACC
CATTTCCGCCTGTTCTTCTCTTTTCCATTGTGACGCCGACGAAGGTGGGTGTTTT
AATTTTTCATCCGGCTCCACAGAATCACTCGACTAATAATTTCTATCGCTGCAGTGCT
>EP77589 (+) Dm CG3424; range -499 to 100.

TTCTCAAATTCAGCGCATCGTGTGCTGCTGCTTGTGCTCCTTTAGCCGTATTTATTTT
TTCTCTTACCCGGCTTTTCTTTCTCTGCAATTTACAAGCTGTTTGTGTTTAGCGGAAAA
AAGCCAGATCGGATTTTAAAAATTTATAAAATCAAGCTGTAAAATCAGATACGTACTTGCC
TTACCTAATTTTTTTGTGTTTACTAAGAATAATTCATTAAGAAGTAAAAATATTCTAATA
ATCGTAGCCATTTTGACAAAAATTCCTTAAGTGGCATTGTTGTCTTTTACTTAAGGT
AGTTAAAAAATATTTATAAATATTTATAAATAAAATCATAATTTTCTAAAGGCATAAT
CTATACCTATAATTTATTACGTATTCTAAAATATAATTTTTTACATCTTGCCTTATAAA
ATAAAGTAAATAAATGTGCGCAGCACTGTTGCGCTCTCTCAGTATTTATATTTAAGCAG
GGACTGTGTTTCTCATTTTAGTTGCTGTTGGTGTTCGCGCAGTCCGCACGGCTTTTGT
GTCGCGGGAGATATCTCCGATTTTTTAACTGCCCAAACGTTGGCATTATTACAACTTT
>EP77590 (+) Dm ME31B_1; range -499 to 100.

GCTTAACTCAGATGTTCTTCTTTCATACACGTTTGAATCTTCTGTGCTTCTAAGTCC
CGTTCACACAGGCAGCTGCTTCATCTGAAATGCAGTTCATATATTGTTTTGTTATAATT
AAACGGTGATTTTAAACCGGCGGAGTGGAGTTGCTCATTGGAAATGCTTTTCTAAATTA
ATTTAAATTTAAAAAATACGGCAACAGCAGTAACACAACAAAAATGTGAAATATTTGGGT
ATACATATACACCTACAGGATTTATAAGAGGAAAAATTTAAATGCCGATTTTTTTTAAATA
AAATAATTTCTTGCTAAATATGTGGACTAATTTTAAACGTTTCATTTGTTTTGTAAAGC
CATGTATAAATTTCTACAATATTATTGTTGCTCATTGTTGAACCTGCAAAATTTGTTTCAT
TCCAACGTTTCCAAATCAGGGCAATACATATTTATTATCTACACCGAGTGAAATATTTTC
CGAGTCATCAGAAATTTGTATTATTGATAGCATGTTGTAAGGCGACTCGACTATTTTGAA
GCTAAGTGAAATTTTATATTGAAACGCAAGTTGAATACGTGAGCAGTATATGAAATCG
>EP77591 (+) Dm ME31B_2; range -499 to 100.

TCTGAAATGCAGTTCATATATTGTTTTGTTATAATTAACGGTGATTTTAAACCGGCCG
GAGTGGAGTTGCTCATTGGAAATGCTTTTCTAAATTAATTTAAATTTAAATAACGGCAA
CAGCAGCTAACACAACAAAAATGTGAAATATTTGGGTATACATATACACCTACAGGATTT
ATAAGAGGAAAAATTTAAATGCCGATTTTTTTTAAATAAAATAATTCCTTGCTTAAATATGT
GGACTAATTTTAAACGTTTCATTTGTTTTGTTAAGCCATGTATAAATTTCTACAATATT
ATTGTTGCTCATTGTTGAACCTGCAAAATTTGTTTCATTCCAACGTTCCAAATCAGGGCAA
TACATATTTATTATCTACACCGAGTGAAAAATTTTCCGAGTCATCAGAAATTTGTATTA
TTGATAGCATGTTGTAAGGCGACTCGACTATTTTGAAGCTAAGTGAAATTTTATATTGAA
ACGCAAGTTGAATACGTGAGCAGTATATGAAATCGGTGAATACAGTGACTTCATTAGT
CAGCCGAAAGCAAAAGAGAGCGAAATACATTTTTTAAACAACTAACTAAAATTTCACT
>EP77592 (+) Dm MGE; range -499 to 100.

AGATAATTGGAATAGGTATTAAAGATTTTATAATTTATAAATGCGATTTTCGATTCGAAAA

ACGAGATGTGGCATAATAAATAAAAAACGGTACACGAACGCTCAACAAATGTTTTATTACT
AATAGTAGGCTTTTTCTTTCTGGTTTCGGTTGCCAATCCAGAAATCGGAAATCAAAGTA
CTTGTAATTTGTGCTGTTTCGATTTGACAACGTTTCTAAATTTAGGCTCCACAAAATAT
TGTATATATTTTCATTTTTAACTCTTAACGCAGTTGATTAACGACAATGGGTGACTACA
ATGAGGGAAGGTGAGTGTCTACTGACCCAAGCCTAAGATGTAGAATATAAACATTTA
AAGTTAAATTATTAAGTGTGAAGATGTAAAGAGAATTTGAAAAAGCGTTGCACTTGACG
CGCTAGGAGATTTCTCATGAATGCGCCGCGATAAATCGATTAATATGGCCAATTGGAGTC
TATCGCTGTGAGGTCACTAAGCTCACGAGGAGCATTTTATAAAATCAATTTTTACAT
AAATTTTAAGCGAACGCGAACGAATCCTCCGCTCAAGCTCAATTAATGCCAGTGCGAAC
>EP77593 (+) Dm GST; range -499 to 100.

GTATGGCAGGATTGTATCTTCTTTGTTATCTGTTTGTAAAAATCAGAAATTATAAAGAAA
TGTAACAAAATTTGTTCTTAAGCGAGTAAAAGGCTTCGTTCCAATGGAGGATCATTAGAA
AGTTGCAGCTTTCTTTTGCAGGGGTATGGTGGAGGTGTATGAGGGAACGGATAGAGTGCA
ACCTCCTCCAGAGCACGCACACACACTATCAATCGTCTCCACACACCCATGGCCACAC
AACAGTGTATTAATCACGCCGCTAACGTCACATTTTTGCCCGCCATTAGTGGGTATGTGT
GGGCAAGTCAGAATATAATAGAAGACAAAAAAAACCCAGGCACGACAACAACCTAGCAG
CCCCCTCTCTCTCTCTGTACCTCTCTCCACCTTGCCACGCCCCGCGGGGCGCTTCA
AGCTACAACCTTTGTTTGGCCGAGTGTGGCGACCACAGCCGCCCCCTATAAAAGTGGGC
TCGCTCTTCGAATTCGTTTCAGTGCTACTTTTCAATTTGATACAGTGTACATCGCGAGTTT
CACAACAGAAGAAAAAATGTAAGTTCCCCACAGCAATTTCTATATATATTGTGTTTTGT
>EP77594 (+) Dm CG3800; range -499 to 100.

CCAATTTCAAAAAGGTGAACGTATGTTGTGTCAAACAATTAATAAACAATTTTGT
AATGGACTTCCTTATAAATTTAAGATATATATTTTCGATAGCCCTTTGCCAGGGTACTC
CTAACGACTGAGCCGATAAGTTGCAGTCCATCACCACGGACACACTGGTTACGTGTGGTT
ATAAAGTGGCAAAATCGAGTTCGCAAAATGGGTTATGTAGTGCCTCCTAAATATGGAGG
ACACGAGACAAAAGCTAAACACGCCAAGTGAGAAAGCAAAATGGAAATGTAGATTCTGTG
AGACAAAGCACGCCGAGTGGAAGTAGTACGACACCAGCACACTACACAATTCAGACTGA
CATTTTCGCTCACCATCGCATATCCTCGAACCAATGTGCACCGCGTGGAGGGTCAGTGTT
GTATTCAGCGTAGCCGAAGCAACTCTGGCGAGTAGTCGATACCACAGCAAAATCGGTACT
CATTCGCTCAGCGGCAGCCATTTTAACTTTTGGCGTCGAAAATACGGCGAGGAAATCTGA
GGAAGCCGGAGATCCTGTTGGTCTGTGTGATTTTTTCGCATCCAGCGCAAGCAGTGTGTA
>EP77595 (+) Dm CPR; range -499 to 100.

GACAATAAATAAAGGAATTCACGAGAAATAAAACGAAGAGACCGAAGTGTGATATCGAT
ACGCAAGTGCTGACTGAGTATCTCGGTGGCTGGCATCGAATGGATCGATAGGCGGCATTG
ACTATCGGTATGTCTTTGCGCAGTGGGCTGCAAGAAAATAGGTTTAGTTCTGTAAAGAA
AACAGTGCAACCAAGAAATATGTAAGTGAACAAAACAGTTTATATTTTAAATATATA
ACAATGCAGTCAGCAGTGATTAATAAAATTCCTAAAGATATTAACCACTGATACACA
CGAATACTTCGTTGTACACAGCAAGAGAATAACGGTTTCTAGCGAACAGTAAATATCAA
ACTTAACAGAGCTACTGGACACATAGGTGGCGTGCTGGCATAGCTCTGTTATCCGTTCCA
ACTCCAGTGCTGAAAGTGCAGCAACTGAGAAATCCACACCGCGATTGACGACGGTCC
CTCTGGAATTCAGTAATTTAGTACTGCTGCTGCCGTGGTAGTCGTCACCTCCCTTTGCA
CTTGCCGCCCTCCGTCAACGTTTTATCGAATAAAGCGAATTAATAATTAAGATCGTGGCTT
>EP77596 (+) Dm CG9238; range -499 to 100.

TTGTACCCGCCAGTGGCGCCAAAATAATCAAAGCAACTAGGACCGACGCTAAATCGAAA
CCACAACATAATCACTGCGGAATACCAAAATGCAATCAAAATATGCAAGCCACGTCGAT
CAGGAGAGAGAGAGAGAGTGAAGAGAGAGACCGGGCTATTCTAGAAACCTAACGCGAGTT
CAGAACGCTGAATATGTATACCTTTAAAGTACTAACAGAGCAGAAAATTAAGTGT
TATGTGGTCGTTTATTAGTAGTAAAAATGGGATGATTTTATTTTATTCTGCTTTACTGTT
ATTTCTGTTTTCTGTTTTTATCTACTGGCCTCTTGAATATATAACATTCTGATAACATTA
CAAACGCTCCACTAACATGTCTATATGTCTTGGAAGGGAATTCAAACAACCAATCTCTCT
CTTTTTCTTTTTCTCTCTCTCTTTTTCTGTCGCCCCGATCAAGTCTTAACGGCAAGTT
GCAGCAACAAACATTTTCATTCGTTTTTCGCATCGTCGAAGCGTACGGTTCATAGGAGGAA
CGGAACGAAGCGGGGAACGCGACGGAACTAGTTGCTGTTTTTTTGTCCGTGTTAAATAA
>EP77597 (+) Dm MLC1; range -499 to 100.

TGCAAAATCATCTGTAACATCGAATGATATTCAACACTATCCGGCTGGGAATGCCACAAG
CGATTATTATTTTGCTTTCACGAACGAAATAAAAAGAAATATTACAGAATAGCCGAAAA
AAAACAAAATGCTTAAAAATAGCCCGGCTAGAGAGCGGACAACAAATGGCTCTGGCTCCA
TAGGAGAGCCTCCCAATATCTGGTGGTCGTTGGGATCCATGGGATCCCAAAAGAGAGTGG
CATTTCGAAAAAGTTCCCCAAGATGAAAGTAAATTCTTGCCATCGCACATACTACAGCAT
ATATTTTGGTGTGTGTATAGCCTTGCAGGAAAAAGAGCGAGCGTTTCGTCATCCATTCTG
TATTCGATTCGTTTTTGAATTCGTTTTCGAAGCTATAGCTGTAAATGTATCTGTATCTG
TGCTGTAGTGCTCGGCGATCGGCTGGTTGGCTTTCACCTCAGAATTACCTTGCCGACTG
CCACTGACGAATAACGTTTCAGTCGAGACCGAGCTCATCCGCGATACAGTTGATTTTCGCA
TCAAACAGACAAAATGGTGAAGTGGCCAGTCGGCCAAGGAGTCTTCACACATCTTCCACCA
>EP77598 (+) Dm CG10473; range -499 to 100.

AACCTGCAAATATTTCTCACTAACATGTTTAGGGCTTTATTAATTATTTAACTAAAACCT
ATAATGTTGCAGGTATGGTATTAATAATATGAAATAGCACGTATGTAGTGTGCAAAGC
GCGGTAAAGACGTTTTTAAAGTACATTTCTGAACGCTTGATTAAGAACATAGAAGACTTT
TAAATAATTTCTACTCTATCATACTTTGCAAATATATTTATGTTTCGTTAAGATTTTCGT
AAACAAAGGTTTTTAAATTTTTTAGAGATGACACTGTCAAAACAAACTTTATCGGCAACT
TTGGTACCTAACATTTCTGTTACATAAGTTAAATCTGCGAACAAAATAAATTGATAAGTAG
AGTTATTAACAATCTCGAATAAAAAACATTTAAGTACATTTGATAAAGTTTTTCGTAATA
AGGTACTTCTTCCCCCATCGCATACGATACTATCGATAGCCGTGAGCGGGGCGATAGAC
CGAGAGAAAGCATCCCTGTATATTGATGGCGGATTGACGCTCTTTCGCCTAGTAAAATTA
TTTTTCTTATCAAGAAAAGGTGAGAATATAACGAGGAGTGAATTCGCAAAGCAGTGCAT
>EP77599 (+) Dm FAT-SPONDIN; range -499 to 100.

CCTATTCTGACCTTTTAGTATTAACCTTTATCTGGCAATTGTGATTTATATGCTTTATAGT
TCTCACATGTATTCCCTATTTATCGATCGAATGTGTGACCAGTCTGTGTGATCAGTCCCA
GTTTGATTTATCAGTATATATGCTATGTTCTCGACCAATGTTGAGTTTCCTAAGCGCAAT
CCTCACGATTCACACTATTTCCGGAGCGGAAAGCAAACCTACAAATTTATGAACACAAA
CTACGATAGTGAGCTCTGTTACCGATGATATGGAAATATATAATTGTAATATTATTTGTA
AATTGTACGGCAAATTTATACCATGAAATATATACGGAATAGAAAAGACACGAGAGTAA
AGAGGAATTATTGGAGGAGCCAATGGATGAAAGTCAAGACCATCTCGCGAGTAATGCTTG
TAATCAGAGTTCGCGAAGCATCCGGCATCGGGTCGGTCGCTCGACTTGAAGATAGCTCTA
TCGCCTCTCCGGCTTGATTAGTCTGTTTTGAGCCTCGCTGGAAACGGTCGTTGCTGCAG
TTGAGCTTTGTAATCGAGTCAAGTGATAACGCGGGAATAAAGCACTGGAGATGGGGCAA
>EP77600 (+) Dm CG3074_1; range -499 to 100.

GGATCGCTCTGGCCAAGGCGGTGCTCTCGATCCCCAACGACTTCAATAACTCAATTATTC
GTCTGCACACACAGAAAATATTCCGATTCTGATGAAATATTTAAATTGCCAAAAGAG
GAACATATTAATAATGTTTATTGTAGCATTTGTTTAAAGTACTAAAGTAGTGATCTTGTTA
GTGAAACTTATATTTTAAAGTAAAGTTCATTCCAGCTCATTTTCGCTCGTGCCTTGCTCTT
GTTTCGGATTACTTTGAGTCTTTATTTTGGGAATTTTGTGTTTAAAGTCTGAAAAA
TTCGCTTGTTCAACGATTGCTGGCTCAGCGAAAAGTGAAGCCAGGGGTTCTGTTACTTA
GTGTTGTGGTCGTAAAACGCAATCGCTTGTGCGCAGCAGCTTGTGCGCTTTTAAAGTCG
CGTCGTTTCCCATTCGCAGTCTCAGATCGCAGTTCAGTTTGAGCTCAGCTTGGTCTG
CTAACTTGGCTCAGTCTCAGTTTGGGTTCCAAATCTGTCGCGTGCGGATCAGATCAGTCT
TTACAGTTTATGCCGATTGACGCTAATTCAGCTGACTTTTCGCTGCTGGCTGGCTAATA
>EP77601 (+) Dm CG3074_2; range -499 to 100.

TTTGATTACTGTCAAAGGCTTGAACCTCAAATTGGGTTAAATTATCACACATTTATATA
TCTTATCAATTGCGGAACAGATAAGTGCAAAACAAAACAAGCTAATATTAACGCGCAC
AAAAATCCGGCGAGGAATTTGTACATAAAAGTGGGTTATACCAACATACCAATTATCCG
CCCATTCCCGTGCCAATTGCGTTTGCCAAAACGGCCAAACATTTTGCCACCGAGAAAC
CTTGGGATGCGCTCTGTTAACCCATCAGATACAAATAACGTATACGCAGTAACAGCAGGA
CGGCTGCCTCACTCTCACTCTCTCTTTCTCTCCCTTCGCTCTGCCAAGCAGACCACCT
ACGCCACCATAAGCTATAAGCTATATAGCCTATAGGTCCCGAGATCGGGCGGAGAGCAG
CGCTGCCAGCAGCAATATTAACAGAAGCAGCAGCAGCAGCAACCTTATGTGGTGGCC
CATAATTCTAACTGAATTCAGTCAGCAAGCAGCCGCGATCGGAGCAAGAACACCGCGCGA
CAAGGAAATCGAAATCGAGTATATTAATCGGCCACAAAGTGCGGGCATTGACTTGAAT
>EP77602 (+) Dm HRP36; range -499 to 100.

ATGTCTTTTTTTATTTCCCAATGCCTCATAGATCCCGTAATTGTAATATTGATTGACCTT
TAGCTGGCTACTTACAAATATACAATTCATACAAAATAATTTACAAGTTATCTCTTAAA
GTGAAGCCTTCCATCGCCCCAGCTAAAGCGAATGCTCGCAGAAAGAGTTATGTAAGCGGT
ATTAATAATAATACATATTAGCTAAAAAGTTAAACATATTAATGTTTCTTGGGTTATC
GTGGTAGTAATTATCATAATCCATTTATAAAGATAATACATTCAAATCCGTTTGTTCAGA
AATATATACAATAAATTTGTCTAATATTTTAAAGCCCTTACTAGACGAATACAAATTTAT
ATGAAGATATATAAAATCAAGTGTGGCATCAGCTTAATTGTCGAGGAACACCCCTAACGC
ACCGAAACAATCGTTCCGATTCCACGTGGCGTCCGATTTTCCGACTTTACCCGTTCTCG
ACACCTGGTCATACTGCTCACTCCATTCTCATTGTGCGTGTGACATTTCAATTTATTGC
CAGTCTGCCGTCAAAAAGAACAAAAACAAAAAAATATTTCTGCGTTCGGTGTAAAA
>EP77603 (+) Dm CG4710_1; range -499 to 100.

GAAATGCTGCCTTAGTGCAATCTATTAGTGCAGAGGCGGAGGCTGGTGCATTTTCTTT
CTGTTCCAGGTGCGAATAATGATTTTTGTGATATTCAAATTTATTTTGATCGAATTTTG
GTTACGTTATGATGGTTACGTTTATAGCGATGGGAGGTGCTTACGCTGCCACGGCGCAC
GTTAGAGATGGCAGTGTGCATATGAACAAACAATACAATTGTATTAAGATATTTGTAATA
AATCGTTAAAAATGATTACAACTTGATACTTGTGAGAATGCTAAAATTTGAGATAACAA
ATTAGAAAATAAATTTAAGTTATATTGTTATATATATAAGGTTATTCAGCGGGATCTA
AGCAAACTATCTATATTTTCAATTTACAGGTATCAAAAGAGAATAGAAAATTTTAGT
TTGTTCAATTTGAACATTGAAGTTGAAATGCATAACGCTTTCTGTCTATCGATTAGTGT
GCCAACTACGATAATCGACAGCTGACCCTCTAGTTGCCAGCAATTTTGCAAGCAAAGT
TTTGTGTTGCTGAATTTTATCCAAATTTAACTTAAATTCGGTTGCGTTGGCCTAAAT

>EP77604 (+) Dm CG4710_2; range -499 to 100.

AAATGCTGTGTATGATTAAGTTCAAGGTGCCCTAATAGTTGAAAAATATGTAATACT
TATCTAAGACAGAGTCAGTTTAAACGAAGCCGCATAACATGGTGTATCCAGCGAGTAACAG
GTATCCTCTGGTCGAGACACTCGCTGGCTATCGTTTTGTTTTGTTTTCTTATCTCTGCTC
TCGCTGAGAGCCTCTCCTGTTGCCAACTACCGCTAATTTGGTCAGCATCAGACTTTGTTT
TGGCATTTCGCTTGTGTTTTGATCTTTGTTACGTATTTGCACGGCACTTGATGATTTT
TTTTTTTAAATTCGTGCGTGTGCTTGTGTTTTGGCAAGTTCAGTTCGTTAGCTTTGCTTTG
TCATGCGATTTCGGATTTGAGTTCGGGTCCGAGCAATATCACTCGCTCGTCTCTCGCACTC
GCTCTCCGCGCTGACTAACGGCTCTCCGCTCTCGCCAGTCGGATCGGCTATAAAAGCGGT
GCGATCTCAGCGAGCGCCGTTCAATTTGAGTTTCGCGGTTTCGAGGTGCTTTGCTTGCCAC
TTGGTCTTTTCGGCTCTGGAGAAAACTACTCGCATCGAATTGAATTGAATCTGGGGAAAAAT

>EP77605 (+) Dm CG4454; range -499 to 100.

GGCTTTTCATTTTCAGATACCTCCGCACATACGATGCAAAATTATATCTCGAGTTTTCACT
TACGTTATTATACGCTCTAGTGTGCAAGTCTTTAGTTTTTCCAATTATTACTATTCAATA
ATACTAATATACCAATATTGTATTTGTTATAATAATAAGATGCTATTACCGTTACATTA
TTAACAAATGGGTAGTTGGAATTCCTTTTCAAAAATAAAGATATAAAAAAATCGATCT
CTATGTTGTAGGGAAGTAGTTCATTGAGATTAGTTGCAGAACTCATTGGAATTATTCAAA
ACTCATTTATTCAAAATATAGATAAATAAATATAGAAGATATATACTTAAATGTGTTATTT
TGGAGTGACTTCAGTTAAGTTCGAATTATTTAATTGAATTTACCGCGCATTAGTGTTACC
ATTTTACACTTACACCATCAAAATATTTCTAGTATTTTCAATCGGTCGTGAACTGGGCAA
TGAAAAGCCATCTGGCAACACTGTTCCATGACGCTTGAATTTTAGCGGACAACTCGAAA
AGAAATAGCAAAAAGACGACGCTTGCTACGAAAATAGTTATTCCTCGCAAAAACCTGTA
>EP77606 (+) Dm JHI-21; range -499 to 100.

TTTTTCAATCACTCACTTGTCTGACATTGCTGGTATTTGGCTTTTTAATCGAAGTAAATT
AAAACACGTGCAAGCACCAAAACAATAACTAAAAAGGATAGAGGTGGGCGCGGAGCGATA
AGTGCTTTTGCTATCGATAAGTGATGTGTGCAACAGCTGAGCGCGTTTCGTGGTGAATAGC
TAACAAATTTGAAATTTTTGGCGGGAACATTTAAGAAATTGTATTATTCAACTGAAAAT
ATGCTTAATAGTTATGCCATAAGATAAATTTAGCATTAGCTAGCATTCAAGAGGACAGCT
TTAATGTTTTCTTCTGTAAGTAACCATTTGACATTAATTTCCGGTTTTGAGCACTCATT
TCTCATTTTTTTCTTTTACACTCATTCTCTCTCTCTCTCTGTTTCTCTCTCCGTTTGCTG
CTCTCACTCTCTCACTGCGTTTTAGGGTGAAAATTGCGTTAATTTTAGTATGAAAATGCC
GGTCTCGATGCCAACGCACAGTCGCTGTTTCGCAAGTCAAAGCCGTTTTGTTGTGTCCGCGC
TCTCGAGGTAAAAATAAATCGTGTTTTACGTGCAAAAGTCGCTGGGAACAAGATAAACCAGAA
>EP77607 (+) Dm SEP1; range -499 to 100.

TGATCTGTGTTTTGATTAGAGCGGCTATGATTGTGGATTATATAGATATGTATTGTGAAT
TTAAGTGATCCAATATTAATATGTGTATTGTTTTAAAAATAAAGACTACAAGTTATAAA
AGCCACCAATGTGTAACAATTTCAATGTGTACGCGCGAATTGGAAAACGATTCAATCA
AAATATACCTTACGATACACAATAGATGGCGCCAGGAGATATTCGACATGGTATCTACAT
AAGATGTTATCTACTGTCAAAAACGCTACGAACTAAATCGTAAATATAGTCCGGGCTTAA
ATTTCCGATTAATAAAGTGAAATCATAAAAATATAGTCATGATATAATATAAACCATATA
AAACCATAATAATTAAATAACTTATTAATATGGTTACGTTCAACCAGATTTTCAAAAGA
AATACCAGCTTGATCTTGTTTCAGACGGTCGTATTTTTGTTTTGCCGCGAACTGGTCCC
ACTGGCAGCAGGATTTGCCAGTTGCGCGCTGCGGTCACACTAGTTGCCCTGCTATTTTGT
TCGTCAATTACGTTGATTTCTCGTTCGTTTCGTGTTTTTTTTTAAATGGCCGATACAAA
>EP77608 (+) Dm QKR58E-2_1; range -499 to 100.

TAATAAAATAAATTATAATGCACAATATGTCGGCATCAAGTAAAACCTTTAAGATATTGA
TCCAGGAATATCTGTGTTGATTTAAGAAACATTTTCGCGTCATTTTCATGTTAGTGTGTTGT
AGAGTCAAGACAATTTACAAGCGCTTTTGAATGAATTATTATTTGTTGAATATACAGTA
AATGAAAATGGTGCGAGTTATTGTGCTGATGTATCAGCCATTGCAATGTGAATATGTAA
AATAATAATCAATTGGAATATGTACCATATTAATGTAAAATAATATGTTTATAATATGAA
ATCTTTATAAATTGTTATATTTAATCTTCATTATTTGCTTATATTTAAACAATAATGATT
TCTTTATAATAAAAAATCTTTATAAATTCGTTATACCTGCCGATTATTTGTGGATGAGGG
GCGATTAGCTGCCATCTCCGTTTCGTTATCGATAGTCACCAAGTGCCGATACCCACCAGG
TCGCGAGGTTCCAGGTCTTATTTAACAAGCTTTTCAGCGAATTTCTCTATGAAAATGATCCGG
AATCGCTTTGGCAGCCTGTGCGGTGCTCCGCCCAGCTGCAGCGCCATGTCCAGCAAATG
>EP77609 (+) Dm QKR58E-2_2; range -499 to 100.

TTCGTCAATTAGCTTCACCGCCAGGGGGAAGTGGTTTTCCATGCGCGATCGCTCCGTCA
GAGCTCCTGCATGTACTTCTGGACCGCCGCGCGCGGCTGGGCTTCTCGCCGTCTGCGTT
GGCGTTGTGTTCTGTTCTCATGCTCCCCGTTGCTCGTCCCGCCGCTGACGCCGGTGGGCAC
CACTCCTGTCCCGGCCCCCGCAGTTCCCGCTGCTGATCCACCGCCGACTCCCGTTCGAGT
GGAAGCCACCGCAGAGGCCACCGCGGATGACCCTGGCACGCGCAGTCCGTTCTCCGCCAT
TTGTCGTCTGCTTCCGGATCGCTGTGCTCTATCGTCTGCTAAGTCGCCGAGTCTCG
GATTTTCCGTGCGCAGATTGCGGGCGATCGCTTTTGTGTCGATTCCGGTATGATTGCTAA
CTTAGCACACTTCAGCCTTCCCAATGGCCCTAATTTTTCTCTTTTTTCCAAGTGTGTAT
TTTATTCGGACATTTACTATGTACGCGGCTCGGTCCGGCAACTCCGGTCTCTCGGGCTGT

CTCTCGTGCTTCTGCAGCGTGCTGTTTCGCTGCCAATCGACGGTGCTGTTAAGGGCGCATA
>EP77610 (+) Dm BCDNA LD24895_1; range -499 to 100.

TGTGTGTACACACACACACTTTTTCACGGCCCGTTTCGCGTTGAAATGGAAAACGCTGCGA
AGGGCCGGATCGGCCGGATTTTCAGTGCAGGCAGACTGCTCCCGTATACGCACCTTGCAAA
AGGCATACAATATTTTAAATCTTAAAGCACAAACACATATAAATGTATCTACAATTTAAG
AAAAGTATTGGCCTCCACCGATAGTTTTGCCATCGCTTTCAAATAGCAGATTTGATA
GGTGAGAACGCAAGCGTGGGTTTGTCTCGCGTTTGAATGAACGGAAAAACGACCTATCG
CCTGGAGGGTTTTCATGTTCTTGAACAAATTTTTGTATGACGTTAAATAAACTAACGA
TTCAAGACTGTTTCTCATAGTTTGTATTTAGTTTCTTCGAAATCTCATACCACCCTTAAC
GTATTGTACATCAATTGCCACATATACCCTCTAAATAATTGATTAATTGTAAAGAAAAAC
CTATCGACCGACTCAAGCAGATTCCATTTCCATTCCGTTTCACTTTGTCCACGCCGCAC
CCTTGACTTAATAATTTAGTATGTGCCGTGCCGTAAAAATTTGTAATCAAAATATGGTTG
>EP77611 (+) Dm BCDNA LD24895_2; range -499 to 100.

GAAGGGCCGGATCGGCCGGATTTTCAGTGCAGGCAGACTGCTCCCGTATACGCACCTTGCA
AAAGGCATACAATATTTTAAATCTTAAAGCACAAACACATATAAATGTATCTACAATTTA
AGAAAAGTATTGGCCTCCACCGATAGTTTTGCCATCGCTTTCAAATAGCAGATTTGCA
TAGGTGAGAACGCAAGCGTGGGTTTGTCTCGCGTTTGAATGAACGGAAAAACGACCTAT
CGCCTGGAGGGTTTTCATGTTCTTGAACAAATTTTTGTATGACGTTAAATAAACTAAC
GATTCAAGACTGTTTCTCATAGTTTGTATTTAGTTTCTTCGAAATCTCATACCACCCTTA
ACGTATTGTACATCAATTGCCACATATACCCTCTAAATAATTGATTAATTGTAAAGAAAA
ACCTATCGACCGACTCAAGCAGATTCCATTTCCATTCCGTTTCACTTTGTCCACGCCGC
ACCCTTGACTTAATAATTTAGTATGTGCCGTGCCGTAAAAATTTGTAATCAAAATATGGT
TGTAAGACTGTTGCTTTAACGTCGGTAGTTTATTTTATTTATGTAATTTTGGCCTGTG
>EP77612 (+) Dm ATPSYN-D; range -499 to 100.

ATGATCTTGACCTTCTTGCGCGGCTTGCGGCCTCCAATCTCGCTCTGCGCTCCGCATCG
GTTAAGGTGCTCAGATCCAAGGGAAGCTAGTAGATGGTACTCGTTAATTATGGTTTCGTT
AAGTTATAGTAACTAACGTTACCTTGATAATCTTCTGGGCTCGTGATAGCGGATGTTTA
TCGTGGATCCATCGGGTGCACCACAACCTGTGGGATATAGCCGGCAGTAAACCGAGCGAT
GCAGCCTGGTAACCGCCGTCGTGGCCGATGAGATGCAGCGTATCTGCTGAACAGCCTGGG
GCAACTGTTTCAGCAACATTTTAAATGATAATCACAATATTTACACTAAATAAGAGCTAC
ACTTAAATCGTGTTTTGCTGCCAGGCAGCTGATAGTGTGACCGACCCGAGGGTAAGATT
TAAAGACTCCTAAATAGTTATTAAGAATCTGTGGTAGCCCTGGTTCAGTTTCCACATTA
TGTGGTATTTTCCCGAGCTCTGGTCACATTCGTAAGTGTAAAGTGTGTTGTTGCAGA
GGCAGAAATCTTATTTTCTCTTGAATAATAAGTACGTTACGTTAAACACTGCAAAA
>EP77613 (+) Dm CG12054; range -499 to 100.

CTGTCTTTTTAAATATATTTGATGGGGTGGAAAATATTAATTCATATGTAAAAATTAT
ATATATGGTAACATTTTAAATAAACCTTAGCTAAGCTTCAAGTATGCCTATCCCGAAATTG
AAATAAAAGTGAATTTTATATTATATATAATATATAATATATAATTAATTATTA
TTTATTGTTTTCATTAATTTTACGGAACATATATACAAAAGGAAACGACTAGAGCCCT
CTGGCATCTTTTCATAATTCTATACGCAATAAACAATATAAAATTTTTTATTTATTTCTT
GTAATAATTTCTTATGGAATAATGCCTTAGTAAATAACTAGAGCCGGCCGGCATATTTTC
ATCGAAATATAAGTTTGTATTCTCAAAATATTTAATGTTCTATAGGAAGGTGTATCTGCT
AGACTTAAATTAGTTAGGAGGGTGCACTCGCTAAGAGCCCGAGAATGCAGTGACGCCCTG
GTACGTGCAAACTACCCACAGTCACGCACACCACCACAAACGCAGCGTTACGCGTCGTTT
GACGTCGGTGTTTGTGTCTACGTCACGTCGGCTTAAATTATGTTTTAATTACCCAGCGGC
>EP77614 (+) Dm CG5026; range -499 to 100.

TTTACTCGGATTAAAGGACCGCATGTGCGTGTGACATGCAACCAGTATGCCACATGGTTT
TATTTGCAATGGTTTAACTACAAATTTAAGAATAGTTATTTAAAGGGATTGAGATATAGC
GAAATGTGTTTTATTTTCTCTGCATCTTAATCTGAGTACGAAAGACGTGAAGCAAA
TAATTTTTCATTACTGTTAGATTACTATAAAATATTTAGTTTATTTTCTTTTTTGCATTT
TAGTTTCATATATGAAACTGTCGTAAACATATATTTAAAAATGAAGCGTAAATATAATCA
TTCCTGCAAACTAACTAAATGAAATTGCAAAACAATTTAAAAATATTTTACATATTA
AAAAACCTGATAATTTTTTAGTTCTTTGTTAGTGGCAATAACGGTTCATAGGCAAAACGC
AGTGTGGTAGTGGACGCCACAACAAAGCTTCCGGCTCAGTGAGCGACGGGCACACTGGC
ACAAAGCACAAAACAGACAGTCGGTCGGAAACGGAATCGAAAAGAAAGAAAGAAATGCA
ATCTGTGCCGTAAGCGGGGGCGTGGAACAAAAGTTTTTGCAGCCCGGAACGAGTTTCATT
>EP77615 (+) Dm CLSTN1; range -499 to 100.

GCGAATTCTAATTGCCAAAACAACCTTTTTCAAATCAAATTTAAAAATCAAATTTAAAAAC
GATGTTACAAATTTTTCAAACACTATAAAGCTGCCTGAAAAACAAAAAATTTAGGTTCTTC
CTCTCTATTAACCAAAAATTAAGACATTTTATTAATCAAAGGTCTGCTATTGCCAATAT
GTCGATATCAGGCCAAGATAAATGACAATCACTATATTTGGTTGCGATTTGCAATAGTT
AACAAACATAAATATTCTGCCTCTGATCAAAAATAAAAAAAATGTTGAGTCTTGGGATA
TCAAGGAATCAAAATATCTATATATGAAAAATCCTACCCAAAAATCCAGTCATTTGTA
AATCAAAACAGCGTAAGCACCCCTTAACCTTTTCTTTTAAACAAACCATGGTATCACTTAA
AATTCGATTAATGTTAGAGCATAGTCTCCACAGGGCCTTATATGTTGTTTTTTTTAAT

CACTTTTCAAGTATTAACCACTTCCACACAAGGATCTGAAAATGTGCGATAAACGTTTCC
AGTGATTTGACTTCTGTATTTAACTTACAACCTAGTTTTTCAAACGTCACAAGTAATTAT
>EP77616 (+) Dm SNF1A; range -499 to 100.

AACTGAATTTTACCATACATCTTTGAGAATTTTAGGACAGTATTCTTGATAATCTATATT
GAATGTTGATCTACACTTAACGTTGCACAAAAGAGGTATCTTTCTGACCTTCTATGCGCG
TGGAGTGGATCCAAAAATCAACTTGGTGAATAAATGTGTATTTAAATCACAAAACGGG
CATCTTTTCCCTTTCAATTGGACATCAGAGAGTTTCGACAACGCACACCTACTAGTTTTT
TTGCGAGCTTAACATTTTCAAATGTGGTTGAGTAAAGCCATTAATATTGCTTTTTATAAA
TTCAGCATAAGTGGCAAGATGGTTTTAAATGCGCGCCACTGCGGAACCTACCTGGCATCA
CTGGCCGCCACTTATCGATAGCCACTGGAAGGCGAGAGAGAGAGAGAAAGAGAGGGCGCG
AATCAGCTGCTGGAACGAGTGTGTTGGAAGGCAGTGTGTTGGAAGTGGCAGCGCCTTC
CAATGTCAATTAATAAGCAAAACGCGAAGAAAACCCAAAGCGTAAAGGAGAGTCTCGTTG
CCGCGCTCGAATAGAAATCCAGGAAATCAGTATCAATTCAACCGCCCTTGACACATCCAC
>EP77617 (+) Dm UBCD2; range -499 to 100.

ACTGTACGATCTTCTGGGTCACGGTGAAAAGGTCCTGGACATCGACTGGTCCAATCCCAA
GTACATTGTATCTGGTGGTGTGACAAACACGGTGCAGTATTCAAATCTCGCAAGGCGCT
AGCGGAAGAAGCGGAGAGAAAGTAAATCCCAAACTTTGTAACTTTTTATAAATACAAAAC
TAGTTTTAACTTTAAAGTAAATATTGAAAGATTTTACATCTGGGGTGTACACTTAAATT
ATCGAAGTGGGTGAAGCAGAGAGGTATTCAAAGTGTATTATACATGGTGTAAATATTCTT
GTTTTTTATTTTCAATTTACGAAATAGTTAGATTTCAATACTTGAATATTATTTTTATGGTA
TCCGCTTCCGAGTTGCCACAGTGCTAGAAAAGGCAAAAACGGTTGCCAGAAGCCGAACA
TCGATAGTTCGTAAGGATGAGCGGACAGCGCAGACCTAGAGACGGACCCGGACCGAT
AGCTGGCTACAAACATACAAATTATCGAGTTTCTAACAAGATAAAGTCGGCTCTGCGTC
GCCTCGTAATTTGCCAACTGTAATTTAGCGAAATAACAACGATCGCGACCGTGAGCCGCC
>EP77618 (+) Dm CG48; range -499 to 100.

TGTTGGGTGCACTGGTTGCTATAGTTGGCACACAGATGCCGCTGGTTGAGCCGTAAAGC
CTCCGAAGGCGGGAGGAGCAGAGAGGTTCCAGTCGCGGTCGCGAGAAGTGGTGGACGCTG
GATTTGCGGCGGCTTGAAGTGGCCAGCGTGAGGGGAGCTGAAGCAGTCCCGGATCCAGGC
CAAATCCAAAGGCTGGTGGAGCCTGCGCCTTGCTGTTGTCTGCATCTCCGCCACCGATAC
CAGCAGTAGGTGCCGGTGTCCGAAAGAGAATGTGGTTTTGTGGCGGGAGCCGTGGTTG
CTGCTCCTGAAGCTGGTGTGCGGCTGGTGTCTGTGCTGAGGCCGAAGGAAAACGACG
ATGTTGCGCCTCCGGTCGGGGCGCGGTTGTTGTTGGCAACTGGAATACCATGCTTAAAC
TTAAGACGAATAATATAAATCTAAATCAACGAAACACGCCAAAAGCAACCAAGTGTGACC
CTCCTTGGAGTTCCGCAATGTTGTGCGGTTGGAAATCAACTAAATTTGAGCTCAAGCT
AGCTATTTTCAAGCCAAAACACTTAGCAGTTTGAAGATTGGGCGGCAAAATTAATTTTA
>EP77619 (+) Dm BCDNA LD24639_1; range -499 to 100.

GAATGCTGAAAACGATGCGAATTACTAACAATTGCAGTGGGGTCGTTTATATGCCATTC
ATGCTTTTACTACTTTTAAAAAAATTTTTAAATTGCTAATATATGTGTTTGAATATTT
TACTATCCACTTCTAAGCAAAGATTTTTCTTAAGAAATGTACATTATTATACGCGTAT
ATATAAGATTAAGCCATTTTACCGAACAAACATTTCATTAGAATGTTTAATTAACGTCA
ATTAATGCCAGATTAACAAATTTTAACTATAGTAATTTTAAACGAAAAATGGTAAATAA
AGTCTGACATTATAAATAGATTTAAAAATTCAAAAATTCGAAAAATAAAGTTTTAATA
ATAATTTCTTGTATGTTTTGTATTTAATTTTTAATTTTTTCGAATTATGCACTTGGTA
TTTTTTTCGATGGCCAGCGTAGTACGCCACCCCTCAACGGTCACACTGGCGGCCAGCTG
GATTGCTTGTAAATCGATATCGATTCTCGCCCAAGTCTTGGGAGACTGTTTCATTTCGGA
TTGTGCATTTTCCGTTTGGCCATGTAATCAACAGCCGCACGAGTGTGAATTAACCTCG
>EP77620 (+) Dm BCDNA LD24639_2; range -499 to 100.

TGAGCTCATTAAAGATCACTTAACAGATGTACATACATACAAATATTTATATCTACATATG
TAGAAATACGAAGCAAAGCTGTTAAATTATAATTATAACTTTTACGTTTACCTATAAGG
AATATGTTTCTCTTTTCGTTTCTGTAACAGATTATAATTAAACAATGTAGTATCTAATAC
CAAAAAGAGACTGTGATTGATTGGGCACATTTTCCGCCATGATCGCGATCCCGCCCTTCA
GGTTTTTACAGGGTATGGCCAAAACAACCTGGCGTGGCCATGTTAAACGCGGCTGCAAAT
ACGTTAAGAGACACACGTTTCGCACACATTCGCGCCCAAATACCAGATACCAATATAACCT
GCACACGAGCTACTGCCATTAGATATTAGGCGTTCCACAGAGACACAACAGATGGA
GGCGAAGGCGATGGTGGTTGTCTGACGGCTCCACTTTGAGCAAGAAAAACCACTGAGGGC
GATCGCTTGGCGCTCAGTTGCGCTTTGGTTACCACGTATAGCGGAACGCAACAAAGCCCG
GACAACCCGACCACTGTCTTTTACCAGATTGCGCAAATAATCAGTCAGCCAGCGGAGAG
>EP77621 (+) Dm EG BACR37P7_1; range -499 to 100.

AAGGTACCAACCCCTGCCAGAGTCTTCGCAAATCATTTGAGCAATCCTGCCCTGGTCAA
TGGGTAAAGCACTTCGACCGCAAGCGTACTTATGACCAGTTTAAAGGAAAAATGGCCAG
GGTTATGATCCCTTGGAGGACCGTACGAAGGCCGAGAAGCAAGCAATTAACCTTAACC
CGCCAAGAGTTCTAGGAGTACTGTTGACCAGTTTATACCCGTGTTTGTGTACTTTTTATG
GTAAATAAATAAACTATATAAATACTACAAAGAAACCACATTTACAATATATGTATGTAC
ATATGCATTAATGGCAGATGGTACTAAGCATGTCCTAACTTGTCTTCTAAATTGTGGATT
GATTTTCGTATATACTTTGAAAATAAAGCTAAAAAGTAGTGGCTTATTAATTTATATTTAT

TTATTTCTCGACATGACATGCCCATTTGTGGGGTTAATATTTCTGTTTCTGTAATCAGTGT
TCCCACTCCAGAGTTCTTTACTGAATTATCGATAACTAGAAAGCAAAATGGTTGCATGCAT
ATTAATTTATGTATTGTAGTTTACAATTTAATTGAGTATCGTCAGTGGTTGCAGCTGGAA
>EP77622 (+) Dm EG BACR37P7_2; range -499 to 100.

TTCGACCGCAAGCGTACTTATGACCAGTTTAAGGAAAAAATGGCCAGGGTTATGATCCC
TTGGAGGACCGTACGAAGGCCGAGAAGCAAGCCAATTAACCCCTTAACCCGCCAAGAGTTC
TAGGAGTACTGTTGACCAGTTTATACCCGTGTTTGTGTACTTTTTATGGTAAATAAATAA
ACTATATAATAACTACAAAGAAACCACATTTACAATATATGTATGTACATATGCATTAAT
GGCAGATGGTACTAAGCATGTCTAACTTGTCTTCTAAATTGTGGATTGATTTCTGTATAT
ACTTTTGAAAATAAAGCTAAAAAGTAGTGGCTTATTAATTTATATTTATTTCTCGAC
ATGACATGCCCATTTGTGGGGTTAATATTTCTGTTTCTGTAATCAGTGTCCCACTCCAGA
GTTCTTTACTGAATTATCGATAACTAGAAAGCAAAATGGTTGCATGCATATTAATTTATGT
ATTGTAGTTTACAATTTAATTGAGTATCGTCAGTGGTTGCAGCTGGAAACGGTGTAGTTA
ACGTAATGGAATCGATTACCTTTGGAGTTTGGACTAGTATGTGGGCTTTATCCCCATAG
>EP77623 (+) Dm CDC42; range -499 to 100.

ATTCCTTTAAACATAGTTTTTAAAGATAAATCCGTTTGTAAATTTTTTAAAAATTTTT
TAAAAAATTTTTTATTTAGTTTGGCAAACACTACAAGAAACAGTGCTATTTTTGTACCG
CCTAAATTTGAAGGTTTTTTTTTGTGTTTACCAATTATTTTATCCATTAGATCTGTTACTA
ATTTTTTTATTTTCGATTGAAAATCATTGTAGTATTTAAGTTTAGTGAGTAAAATGATGAA
AAAGTGTGAGAAAATACAGAAACACTGGGACAAACACGAAATCCGCTTATTATTGTTACC
GCAACTGTATGCAGTATATTTGGTCCCGCTCTGCCGATCGGTGGATATATAGCCCTTAC
AGTGACAGAGAAGTTCACCCGAAAATACCAACATACCGATTGCGATGCAAGCCGGGTGGG
AGTACTGCGACGGGATGGCAACGCCGCGTAGTCACTCGCACGCAAGAGCTCGCTGGAG
AGAGAGAACGCTAACACAAAAGGAAATAGTAGTTTCCGTACGTATCGAGCCAGCCAG
AAAAGCGGAAAACCTAAACGGATTGACAGCGGTTGCAAATTTTAAATAACTGTAAGTAAG
>EP77624 (+) Dm BCDNA GH09945; range -499 to 100.

CTTCAAAATTTGTTGACAATGTTTTGCAAAGAAATAATTCTTATTCCAGTGTTGCCAGATT
ACTTTAAGAGATTACTCAACATATGCTGCTGAGTTGACACTGTTAGCTAAACTGTGACTG
GTCACGATTATTTTTAAACTCTCGCTCATTGCTCTTTAACTGAAGTAATAACATTTAT
AATCTATATTTAATGTTTCTATTTAATAATAAATGTAATTTTTTAACTTCATTCTTC
ATTAAGCTCTTTTACAAATTTATGACTAGTAATATTAATCGGCTTGCATATTTTTTAAA
TGGATAATAAAATTAATTAATAAGTCCATTAATCAATAATTCCAAGATTATATTTTAT
ATATGTTTCATTTTTTCACTTAAGTTCCTGCTGCTTAAAGTTCACATAGATCTGTTGCTCC
ATCTGTTAAGTAACAGCTGTTGTGTATTGGCTAGGAGGTACCAAAAAACGGCAAACGCTT
AAATCAGCGGAAACCTTTGGACTTTCTGTGATTTTACAGCGAAGGTAAGAGTTTTAATTA
AATATTAATGGACTTAAATTAATCAACAACAATTTCCCTCGCTGGATAGCTCCAATA
>EP77625 (+) Dm CG8818; range -499 to 100.

GACAAACGTTATGGATTGGACATTCAATGGTTCACTTACCTGCACTCATTAAATTGAGCA
GGGAACGCTCTAGGACTGTGCGCGGCTGCCAACGCCCTTTTTCAGCTTGTCATCCAAA
TACGGATGGCTGAAGGTGGAATATCGCTGGCCATTTTCAATTTGCGTTTTAAAGTTTTCTTG
CAAATGAAATCAATTTTTTGGCTAACTGGAAGCGTTGCCGACTGCTGGATTGGGTGAACT
CGCGTTGCCAATATAGGCAACAGGAGCTGCCACGTAGGGGTAACTTTAAATTTACATAC
AAATTTATGGATTTTTTAAATGACTCTACTTAAAAGTAAGTTTGTAAATTATATGCAGCATT
CCATTTTTTAAACATTTGTGAAACAAAGTATCTGAGTTTATTTTCAAGTAACAACCTTGCTATG
ATTCGTAATAATGGTATTCCTCGATGGCATTTCACACGGATCAGCGACGGTAACACTGT
TGAAAACAAAAAATATACACAACCTTATACAATCCGAGACAAAAACGGGGCAAAGGAGGCG
TGCTAGAAAGAGCGGAGGACGCGGAGGTGACCCCAAGTCATGGCCATGCTGACGCGATTG
>EP77626 (+) Dm RAB1; range -499 to 100.

CTTCAACTTCTACAAGGTGTACAGTGTGGTGGACGAGATGTTCTTGGCGGGCGAGATCCG
GGAGACCTCGCAGACGAAGGTGCTCAAGCAGCTGCTCACGCTAAATTCGCTGGAGTAGCG
GCCAATTCATACATATGTATATCGGATCTGCCAGATGCATTCCCCCAGGCGCTACACCC
GCCTATCGAATCTTCTTTCATATACTATTACGCGTATTATTATTATTCTTTAATGTGT
TCTCTATGCAAACTCAAAATGTTAAAGGCCGTGTTAGAAACAAATGATGTACCATAAG
AGATTGTATGCAAAAGTTAAGTATTTTTGTTTTTATATGGGGTGTGTTAGGGGTCAATTTG
GCGATAATCCATATATTTTCTTCTGTTCCGCCACTCACCTCCGTAGACAAGATAAT
GTGTAGCCCTGGTTGGAAGAGGGCCCCGCGCATTTTCCAACACTGCCGCTAATGCCACTT
CGTCATTTTTTTCAGTCGCCATTGTTCTCGTTCTCGGCCGTGAATTTGTGGAATAAACG
TATTTCCATTTTAAATTCGCTGCAATAATTACAATAGCGAACTGCAAAACACAACACAAG
>EP77627 (+) Dm NURF-38; range -499 to 100.

ATGACCAGAATTCGGACAATTTTCGCAACGATCAGTAACCAAGTACAAGTAAAACTATTGA
CTTCGAATTTATAAAAAATTCATCACTTATATGAACTTTTTAAATATTTCTAAGTGCT
TCTTCTGCAGGTATGAACATATTCAAAGCATATTTTGTTTAAGTTTTTACGATTTGACAA
AACTAAATAATCTTTAAGTTTTGATAGTTGTCTTATTTATACTGTAATAAGATTGTGA
TAATAATTATAAATACAATATTGTATTTTATTTAATAATAATAATTATAATGTTATAG
TTTTCATATAATAATTTTATAATAATAGTTCTAATTGTATGAAAAATGAAGTTCATTC

TCCATTGGAATGGATGAAATGGAATCGAGCTATACATTTTCTGAGCAGCACTGTAACTG
TAAATCGGGTCTATCGCCCTATCGATAGACTCAACTCAGGGCTGAAGAAAATGTTGGC
GAAAATTACAAGGAGTTTCATTTTACGCTTCACGTGCGGTTGGTCGCTTGTCCGGCTCGAT
TCCAACGTCACCAAGCGGCCCTTGCCAGCAATTGCAGATATATTCAGATAGAACGGAAGCG
>EP77628 (+) Dm FAS3; range -499 to 100.

CATTTTAAATTATAAGCAACAAAATACATATTTATTAGTGGAGCACACTGCAAAGACTGT
TTTGCTAGGTAAACGTTGATTAAAAGATTATAAATTCCTAGCACCCACCCAATTCCCTGT
GACCTAAATAATAATTGTAATAATAAATTATAAAAACTGCAGCTGCTATAAATTGAAAC
CATTATTTTTAGGTAGTGTGTCAAGTCCATATACCCCCGAATTTAAAAGTACCCTGTA
CACACAGTCGCTGTAAAGCGTAAACTAGAACGAGCAATGCTGCTAGCTCGTCGCGCATGT
AGCGGCAGCAACATGCAGCCGCAACATCGACAAACGCCAGCAACATCCAGCGGCAACATG
CAACCCCAGCGACTGCATATGTAAAAACGCATACGCCTGGTGTTCGCAGCATGCTGCCGC
TGTCGCTGCCGAGCTGGCGCCGACGTGCGGCGCGCTGCGCTGCCCATGTTGGCAACTTT
ATAAACACGGAGCGGATTCAAGTCGTTTGGTAACTGTTGCTCCTATCAGTCGTTCTCTGTC
GCTCTTGGATTGCGTGGGCACATCGGTCGTTCCGGCATTTTGGGTTCCGGCATTTCCGGATT
>EP77629 (+) Dm CG1140; range -499 to 100.

TTCGTGCAGATCCACGCCAGCCAACTAAGGTGTATGTAAGGTAGTCAACTGGCTG
TGACGTACGACAGGTGGTTTTGTCCGGAATTGTTTAAGAAATGGCGTTTTGTTTTACGCG
TGCAAAATCCAACGACTTTGTTTTGTTGACTGCGCTTCGTTCTGTGTTTGGCCTTCTGAG
CGTCTGGCTTTGCCTTTGTTGTTGTTATGTTGTTGTTAGTCAGCACAGCTGATGGCAAAA
CGCGTTTCGCTGCTCGGTCCTACTATAAATCGATTTCAAATTACTTAAAAATAAATGTTAT
ATACAAATAAACTTTAAATGTATAAACTAGATTTAATTGAAAATTAATTTACATAA
AAGTATTATCCGTTATTTTATTTAATTAATGCAATTGTTGCATCTTTACAAACAGCT
GTTTCATGGAAGTTATCGAACTGGTTTCGATGGAACAGCTGACTTGGTACCTGTTGCGCT
CCTCAGCTGTTTTCGTTTCATTCTGGCTTGTGTTGATCCGCCGAGCAGTTTGCTTTAGTT
TAAATACGTTTTTATTACTTTAAATACACTTAAGTTAAAATGCTCTGCCGACTGGTGGGA
>EP77630 (+) Dm CG18022; range -499 to 100.

TTCGGTTGTCAAGTTGTGTCTCCTTTGTTTTATGTGTCTCTTGATGTCTGGCCCCGAGGC
TGCTATGCGCGCATTTAATGTAACCAACTGAATTGTGTATTCAATCTTCGACTTCAAACA
TAAAGTGCAACTATTCGGATTATTTCCACAGTTTAGACCAATTTTGATAGATCTACTT
AACTAACGAATTACTTAGCTTAAAGTGTATGCCAGGATACTGCGAGGGATGCGAGATGAG
AAAATACATATTATGTTAACAAGTGTAGTCGTTTCGTTTTTAAATGGGCGGTTTTAAAT
CAAAAAATATAAATATTTGCCAAATTTAAAAAATACATTTAAATTAATAGTGTACCCCTA
CAATTCACATTTTAAAAACCAAAATAGGTTTGAGTCACGGCTAAGCAGTGACGCGATG
CATTTTAGGGTATTTTCGACCACACAAGAAGTATATCTAGATAAACGTTCTGGTGCACAC
TGGCAAAACCAAAAAATTAATTAAGAGTTCTGCGTGAATCGCTTTAAGCCACAAAGT
CGCCGAAATAGCGTAAAGCAGACGAACTCTAAATAGCTCGACCAGTAGGTAGTGACCA
>EP77631 (+) Dm ARC70; range -499 to 100.

TATACACACTTTTTTCAAATATTTTCGATTGAAATGAAAGAGTTTAAGAATCTTTATATA
TCCTTAACAAAAAAGCGCATTGCTAGTCCGAATAAAATAAGTTAAGGGTAAAAAA
CAAACAATATTTAATATTCTCCATATTAAGTAAAGCGGGTAACTGGACGGAGAATCTAC
GAAATCGTTTTATTTTACAAAATATATAGGACAACGGGAAAATATCCAAACCACAAAG
CAACAAAACCTTCATTTTCTGGTCTGGTATATTTGACCTTTTTTCATTTTGAGATTCAC
GCATTTAGCCCCAAAATGGACGTTTACTTTATATAATACTCCTATAGGTTTTCATGTAC
ATATAATACAATTCCTCTTCAATTCTGTTTGATAGCAGTATGATCAGGCCTTCCTGTTAA
AAGAAATTCAGTGAAAGTATATCGATAATAATTGTTAAATACTTATCGATTTTCTGCCA
CCCTTGAAGTGACGCTGTCATTGGTAAAAATGGCGAATTGTAATAAAGTCGGGAAGTCAA
CCATAAATTATTAATTTTCTTATTTTGGACAAATACAAATTTTCATATTCAAGGAAGTG
>EP77632 (+) Dm CAD; range -499 to 100.

ATTACGACAACTGCATACCTGGCTCAATGGGGCGTGGCCACCTGCCTGCCAGCCATCGC
AGACCGGTGCGAAAGAGACGGAGCACCAGACAGACGGAGATAGCGGTAGTCAAGCACTCA
GGCCATCTTGAATTTGACCGAGCAACGGAAATGAGGGTTAAAAACGCCCAAGTAAAGGC
ACTGCTCGTGCCTAGAAAGAGACAAGTAGTGAGTGCCGACTGCGGTGGTTGTTTTTTT
GAGCCTCTCTGCCTGTTTATCTGATTTTCCACTGCTTTGAGTTTTTTATCAGTCGAGTCT
TGCTCTACGTTTCAGTACGTGTTGACCTGCATACTGAGTTGACGTGCCACGCACGGAA
TAACATTTCAAATTAGTAGATTAGCCCTGCAAAACAAAAATCCATCTCGTGAGTGAGTGC
TGAAAAATAGCGTTTCGAAATATTATCGATATCTCGGTCGTATGTTACTGTGCTCCCAAA
AAACACATCACCAGCCAGTGATAACTGTAAGATTGACAAAGCAAAATATATCCATTATA
ACCCAAACTGAACTCCAGAAAATGTGCAACTAAAACATATTGGCCATCAAAGTGATAAG
>EP77633 (+) Dm DOS; range -499 to 100.

AGCTTTTGTGGATTTATTATGCTGATTTATTAGGTAAATACTTATGTTATCTGCAAA
TCTTGTTTTCAAACAAAGAAATACTTGTGTTTTTTGAAATATGTATACATATTTTATATG
GGCTATTTGTGGACTTATTTTTAAAATACTAGATTGAACACGTTTCATATGGCAACCAAA
AAAGGTTTTGTTTTGTTTTTACAAGATTGTAAATACTTAATTTTTACAACTCAAAATTA
TAAATAGTGCCAGTGTTGGGTAAATGTCAACTACGGTCACACTAATCTAAAACAATTTGAA

GCAAAACGGTATATTACACTAAGTTCAAGTTTTGAAGCAATGGGGCTTACACCAAACAAAT
ATATAAATAATAATAACTTTCCGCCGAATATAAGCGTTCGCATCTTTTATTTTCGATATAT
CTTAGACTTAGCTTAAGCCTATCGAATACTTATTCGATATTGCCTCGGAAGATCTATCGC
AAGCGTGAGGCCACCTCTAGTTGGTGTGCGCGGAGTGGAGTGAAATAAATCGAAGTAAA
TTGCGTCGAGCGCTGCAAAATAATGGATCGCACTTTCTACGAGGGCTGGCTAATTAAGTC
>EP77634 (+) Dm GIP; range -499 to 100.

GCGTACTTGTTAATTGGCTCTATCACGCCGATCATTTTACTGGCTCTAAGGCTATCGGCG
GCGATCTTTAGATTGGCGGTATACGTCTTCGTGTAGTCACTCTCTGGCCGCCCTTGAAG
AGTCCAGCGTTAGATGAATCTTGCCACAGTTAACCTGTGGGCGAAATCAATGGTGGCA
TCCAATTGGCTACGGAACAGCTTTTCCGAGCCGGGCACACTGGTGGAGCCGAAACGCAGC
TGATCGTCGCTCTTGTCGAAGGCCAGATTACCCAGACTGACCACCACACCCGCTCTCCTTT
ACGGCGGACACCACGTCGCTCGTCTCGCCTTCGGGATAGGGGATCTCTACCGCACGGAAT
CCGTTCTGGTGGGCCAGACGAATTGCTCCGCGATCGACGTCGCTCTTTCCGTGAACAAA
AAGTTCAGATTGCTGCAAACTTGAGTGCCATCTTCGTTCACTAATCTCCGCTGCGTT
CACGCTTGGCAAACAACCTGGGGGGGAACGATGCGATTACCCGTTTTTTATATTATATCTA
CCGACTTTTGATACTGCCAATGTCTATGGAGCAGGAGCTTTTCCGACCAAAGCTTTGCG
>EP77635 (+) Dm CG15096; range -499 to 100.

GCCTTTGGCTTTTGGCGCTTGAGCTTTTGGCGCTGAATGCAAAGCTTCGCTATGTGGAATA
CGATCCAATTTCCAACCGCTTTCAAGTTCAAAGCTATCGGAAAACGATTTGAAAATAGCG
GCTAGGCAATAAATCGCAGATAATTTAGGATCTGTGATAGGATCGTAACATTCGGTGACC
GTGTGATCAGCATAATGCCTAAATTGGTTACATCAAAAGCTGGAGATTAGGTGGAACCCC
TTCAGGGTTTGAATAATGGGTTTGTGTTTTGGGGTGGTGGAGGTGGGGGTGCAACTGCCAC
GCGCTCTTACACTGTCAACAAATCAGAGCGACAGCCAACGTACAGATACAGATACAGAT
ACAGCTGTAGCCGCGAGCTGTAGCTCAACCAAATACAGATAGGCTTACCCACATAGCCAC
ACGACTACTGGGCGATGCTGGTTAGATGATCTGACTATTTGCGTAAAGCACCTGCTGATG
CTCCGCCAAGAAGCCATCAGTTAGTGAGCAGGCTCCAAGCCGAACGGTAGTGCCTTTGCC
TTAAATTCACACACTACATATTCATAGTTACTAACTAAACCAAATCCAAGTATGGTTAC
>EP77636 (+) Dm BCDNA GH08925 OR; range -499 to 100.

ATAAGGAACACCTTTGATTGTGTCTTAACCTAAGTCCGCTGATCCGCTCTGAACAAGT
TTCTGCTTGATTACGTGGACAAGTGCTCTCTTATTCTGCCCCCGTATTGTGGATCGC
GTTCCACAGTATGTGAATCTTTTTGGCTCTACAAAAACAGATCTTCACTCTCTCTC
GTACTCTTACACGTGTGGATGGTGGTGGATCAGATCCCCCGCTCTCTCCGCTCACACT
TTCCGGGTCTCTCTGAAGATTTCACACTCTTTTTATATAGGGGTGCACCCAAAAAAGAT
AGGGAATATAAATGAAAAAACATTGAAATACAAAAAAACTATAATCTTATGAAAAACTT
GGAGGAATGCAATATATATAAATAAGATTTTAACTAACTACAAAATAATCTGGTCTAA
CTTGCAAAGTGCCACAAAAATGTTTCTGAGTGAGAAGTAGCGTTAGTAAAAAACGTC
GGCGGCTTCGGTTCCAGCATTTCTCGCCCGCACTTCGATCGAATCGGACGTGTTTGCAC
TCACATCCGCCGTTTGCTCGCGTGTCTTCTGTTGTTGCGCCGCCGATCCGCCCGGCC
>EP77637 (+) Dm SOP2; range -499 to 100.

GGTCAGAGCTGTTTTGCCGGTCCACTGTGTCCGAATAGGTAAATTGCCGAGGGATATGT
CTCACTCGAATCTCCTATCAGCTCGCCAGCGTTTCAATGGCCGCTCCCGACAGGGAAA
CAGCGGCTCCAAGGAGGAGCAGATGGCTTCCATAGCTGTGCTCTGCTTTAAGTTTCCTC
AGTACCCACAGGCGAAGTGTTATTTAAACGGGCTTTCAAAAGGGAAAAATCTTCCT
CGGTTTATAAAATAACAAAAATAAATTACGAGCCAGCCAGTTATTAATAATTTGTTTACA
AGAAATGGTTTCTGTTTAGTGTGACCATTGAAATGGCGCCAAATTATTCCTCTGGTATA
TACCGAACGTGCGTAACAGCACTGGTACCTTAGCATTTTTCAAACAATCGAAAAATATCG
ATATAACGAAATAACGATAGTATTGAGGGCCATCGATTTTTGTTCCAGCTCTAATTCGG
GTGATTAATTTGTGCATTACTTTTCAAAGAGTTTTTCCACAACGCTCTACTCTTCCG
GCCAGGCAAAGCCAGAATCCATCCAGCAACGCCAGCTTAATCGTTGACGGCCAGCA
>EP77638 (+) Dm CG5746; range -499 to 100.

TTTACCAGATACCAGATTGTGACCACCGAATTTGACCAAAGGGTTCAGTTTTATCTT
GTGTTTTCCATTTTTCCAGTGCCAAGTGTGGCCGTGGTCCGTGAATTGCAAATTACCTA
CAGATTAGTTACTTGTGCTGGGACTGCTCAATGTTTTAATTTGCTTTTTTGAATGAGAGT
GGAGCAGTTTCTTAAATCATTAAAGCAATAATCATCTTAAGTGTTCATCAATTCTAAAC
TAACTACTAGCGATCACCATTCCAATAAAATTTGCTTAACTCATTCCTCCGGAGTTT
GAATATATCTTTAATGCATGTTTATGGACTAGACTCTATTTGTTTGAATATAAATTAAT
TCATTACGTATTAACCTGTTTGTATATTAACCTCTTGGAAAATTATAATAACAAGTTTTT
ATAGCTATATTGTCGCTGAAGGATGACAACACTGGCGCAAAAGAGCGACGAGTGGGCGAGC
GCTGCAACAAAAATCAATAGTCGCCGCCATATTTTTTCACTGAATGAAGACCAACGCGCT
TCGCACACCGAATAATGTTAAGTTAAATAAGTTATTTAAGATAAGCTACTGTTGAAAGTG
>EP77639 (+) Dm AATS-TRP; range -499 to 100.

GCGTTACCCTTTACCGGCACCAATTTGGTCCGATCACGAGTGACCGCCAGTGGTCTCCA
TAGGGAGCCACTTCCACCCACATATACTCCAAGTCCAGGTCCAGAGGCCAATCAGGCGTA
GCCAGTTCACCTTTTCTGTGAATGGGATTAATGGCGTATCCTTCAGTTGGTTTGTATAG
AACGGATGGATTAGGATTACCCACCTGTAGTAGTCCGGTCGCACCTTGAACCACTCCCC

GTGTTGTACATGATAGGCATGTTGTCTGAGTTATTAGTTCCTTATTTTAAATCGAAAAACA
TTAGTCTTATCCGCTTGCAATTTTTCACCCACAGTTTGCAGCGCAACAGCTGATTTTCCAG
AGTTGTCACTCAATAGCAAATTTGCAATCCATCGATATTCTCATTATCGATATTTTAA
CAGTTGAAATTGAGCATAACAATTACCATTAAACAGGAGAGCAGATGAAATAATCGATGGT
GTAATCGATGGTTGGGACACTAATAAGCGCCTCATTTACATGTGAAGGGCCCAATTACA
CTGGCCAGTATTAAATTATCTGTTAAATTCTTAACAATCAGACTGACAGAATGGCGGACA
>EP77640 (+) Dm AATS-GLN; range -499 to 100.

GATTTTAAAAGAGTTAAAATGGTAGCGTTGCTCCAACAAGGCCTCCTTGTAGCTGGCCTT
GATCTTGGCCTGCACAGTGCCTCGATCTGCTCCGGAGTGACCACCACTCCAACGCCGCA
CTCCTTCTCAAGCGCCTGCAGATCTATGTTGGCATTACAGCTCTGACCGCACTTGAGCAG
GTACTCCAGGGCGGCATCAACGCGCTGAGTGTGTCCAGCTTGTGCTCCACTATGTAGCG
CACCAGAAGAGGCAGATGGTCCGCGAGTCTGCGGCTTCAGCTTGGTAGCCATGTGGTAGAT
CAGCATACCAGTGCCGTCGGATAGGGTGGCGCTTCCCGCCGCCGACGACAGCTGGAG
ATTCTTTGTACGTTGGCATTCTTCAAAGTTTCTTCGCTTTTGTCTCGCTCATGCCGAG
CGCCTGGAATTTGCAATCAGATCATCTCCAGCCATTTCCCGATTTTGTCTCTTCTGA
TGACGATGTGCAGGTGAGTGTGACCGTTCCGGACCGGGATGTAAACACCAAGTTGCATTA
CAATGTTCCGTTAGTTGGAAAAATGATATAATTATAAGCGATACTCTTGTACAATCGATGC
>EP77641 (+) Dm PAR-6; range -499 to 100.

TATTTAAAAAACGTCCTTTGATTAAAACTGAGCATTTAAATATAGCTAATTCTTGTCTTGT
AACAGTTAAGCCTCTTTTTTTCGTGCAAACAGCAGCCACTTTGCAAATGTAGCGCATCTGA
AGATCCACCCAGCCACACAAACAACTGTCTCTACACTAACGCAGCAACATGGCTGCTC
AGACTCTATCGATATATCGATATATGCACAACATCGGTTTATGCCTAAGTTACTCTGGGA
AATATTTAAAAACAAACAAAGAACATACCGTTATTTAAAAAATACTTATTGTTGTGAT
AAATTCAAAACCTTTGCTAGCTATATTGAAAAAAATTTATTATTCTAAGTCTTTTT
AGATACTTTTATTGTTGTTTAAATCTATTGCTTATAGCATATTTGTGGTATTTTAGAAAA
CTGAAATGGTATATTTTGGTTTTGCATTCCCCACGGTCACTCTGGATCTATTACCATCCG
ATAACCGATAGTGCCTACCAATATCGAAGTACGATAGTGCCCGATAGGTTTCATCCATCCA
TTTTTTTTTATTTAATTAGTTTTAATTTAGATTTCTAACTCTAATTTATTGGCGGCCCCCC
>EP77642 (+) Dm CG8726; range -499 to 100.

CTAGCTGGTGTGGAAAATGTTTCGATGGTGATACTCAGCTTACAAATTTAGTTCGCAATT
TATATTTTATTTATTATTACCTATCTATCTATGACTTCTTTCCATAGATAGGTTTTGAGT
AAAGACCAAAACCACATGAAAATGTTGACATAAAAAAATGTATATCTGAGGATAAAATTTA
AATATTACATAACATAATATAACATATTTAAATACTATCTGCAAAGCGCAAGACTCTTA
CCAAGGCTTACATTTTGTCTACTCGTATTATCTTCCAATAAAATATTTATGGAATAAAAT
ATGCCAATAAAATATTGGCAGTATTTTCTTTTCAAGCATTCGATTTTTAAAGGAAGGCCTAT
AATGATTCGGTAAGGTTTTAAATTCACCTAATGCTTACACTTGTACATACTTTCCCAATA
AATTATTTAAATTTGGCGCTTCAATCCAAGCTGCAGTCTATCGGTGACTGCATTCTTGAA
ATATCGATACAAAAATGACAGTCCGTGCGTGCAGTAAACAGTGAAAAAATACTTGTG
TCGAGTCCAATTGGACTGCGAAAATGCATTAACAAAGAGGTCAAAGACAATCTGCAAG
>EP77643 (+) Dm ROC2; range -499 to 100.

GTATGTTGTGCGTTGGACTCACAGCAAGTACTCATAGCGCTCCAGGCACTGGGCTGCCGT
CCGTCCGATGATCGGGGCTATGGTGCGCCACTGCGTCGGCATCAGCTTGCCCAAGTGGAG
CAGTTTCTCGTCTCTCACGGGACCACTCGGTCTTCTTGATGCTGGGATCCAGCCACTC
GTACCACCTGGCCTTGCACTGCTTGGCGGACTTTCTGTGCAGGAGGGAGGCAATTCGACT
CCACTGGTCTTGCCATATTTTATAACCGCAGCTTTGAGGATTTTATCCTGGGAAAAATGA
AATCGGTAGCCAATGTAAGCCATGTGTGGTTAACCGATAGACTATTGGGATAATTACCTC
CGTGTGCGCCACACGCCGCCCTTGATCATTATTCGCGGCATTCTGGGGCCTTATGTTGC
TTTCTGTGCGGTATACAATGGATTTTACAATTTTCACTCGAGTCCACGAAACTCCGCTC
TTTTTTTTGCAGTAGCCGCTAGCGATGGTTAGTCTTCGATAACAGCGATATCTCCAGCAC
GTTTTGTTATATTTATAGAACTCTAGTTAACTATTCTAGCTTAGTACAAAAAATTTT
>EP77644 (+) Dm CG6422; range -499 to 100.

AGGCACTTCTGGGTGTTTCGGCGACAGCTTGAACATCACCGCATGGCTGCTCCAGGCACAG
GCCATCAGTAGGCACACAATAAAAGCGGCCCTCGCCATAGCTAACAATTTAAATCTAACA
AAATCTACGGCTGACAAAGATGAGGTGGCTATTTTATAGAGCTGGCACAAGACCGATGTT
TTGGCGATGATATCGATGTGTCTAGAATTTTGGCAGCACTGGTTTGGCGCAATCGGTACT
AAATACTAAATATAACCGCAACTTAACTATGTCTCTCAAAAATTTAACTCTTATTTATT
TTAGTAAAATACAATCTTAATTCAAATTCACCTCAATGCTTAATATGACACTAGC
TTGCATTTTAAATCACACAGCCGTTAAATTAGTGTTGATAATATCGCTTTGTCTGCGCAAC
GCCGTTTCGCGTGAAAAGTGACGGCTTCGGAAGCGTTAAGAAATCCCGTCAGTGTATTGGTT
AATGTGCGTGTGGTGTGATGTGGTTCTTTAAGTAAAAAATAATATCGGAGTTTA
TAAAAACTTTTAAAGCAACAACTCTGCCTGCCTTGTGTTTTATATCATTTATTTAAAA
>EP77645 (+) Dm PHO; range -499 to 100.

CGGTGCCTGATCCACGCAGTAGAACTTTCCCTTTTCGTTTAAACAGTTGCCTCTTTTAA
ATCTGTTCCAGTCTCATGTTAAGCTTTGTTAACGATGGGAAATTTGGTTATAGCATGATTG
CACTCGTTTTCCGAAATGAGGATGATTCCATTTCCACATTTTCGAAATGTATTTGTGGAC

CGTATCATATGAACTTTATTTATCACTAAAACATAAGAAAAATATACACATTCTTTGAT
AGGATTTTCTTTAAGCATATGAAAAATTTAATTCATATCGGTTTACAAATTTGTAGTATT
ATTTAATTTTATGTTTTGCATGTATATTTCAAGCTATACCGATATAATTACAGAGATTAC
AGCCAGCTTGTCTATATTTAGAAGCTAGTCGACGTGGAATCAAGATATATTTTGC GTTG
TAAAAAATACTAAAGTTTAGTATGTTGCAAAAAACCCAAATATTTAGGCATCGAATACC
CATGCCAAACAAGCAGAATAACCTTTTCAATATTTTGAGTCATTTGGTATCGCGTTTTAT
AAAAATTACTTGAATTCCTTTGTTTTCTCGGCTTTTAGTGAAACAATTCGACTATCATT
>EP77646 (+) Dm NONA; range -499 to 100.

TTGTATTCAAATCAAAGATGTTTCACATCACGAAAGGGCTTTCTGATGCACAAACAACA
GAAAAATCAACGTGACAGTGTATAAAATTACAACTTTATAATCCTTGCCATATATGTAGAA
TATATTTAGAAAGTAAACATAACATGTTTTAAAAAGTACATTTACATTTTATTTATTGAAAC
TTCATTTGTTTCATTTGATGTTTTTTATTACTATCAATACAAAACAAATCGAATCTAATTA
TCGATAACAATTTTCAATCAGTGTACAAGGTCCATAATATTATAAACTTATACCAATTA
TTTTTAACCCCTTCCAAATGTTTAATTTTTCTGTCTACTCGTTTTTTAACTTTTAAAAA
GCAAGCTATATTCGACATCTGTGTTTTTTTATCTACCGATATTACGTTTGTTCATTCCA
TACATACCCAAAGTAGGCATTGTGTCAACCACTATGCTGTGTACGTATAATACGTTTATCT
GCTTTGTTCCATTACATTCAGTTTTTTCGATTTTTGACGACGGTTGTCAACGAGTTGTAGCA
AGCACATTTTAAATAAAGCGAAAGGAAATAATAATTTAAAAAATGGAAAGTGCGGGGAA
>EP77647 (+) Dm TAF80; range -499 to 100.

ATCTTGAAGTAGATCTGCACCAGAATTGGGTACAGAACCATGGACAGCTCATGCTTGTAT
ATGTCCAGGGAGTCTCAACGAAAGTGCGCAGCTCCTTGTATGCCTGCTCATAGTGTGA
GCATCAAAGCTGTCGTCGTCGATGAAC TTGGCCAGTTCTCTGCAGCATTGGCCTCCGTC
ACCGCGGACTGTTTATGACCTGCGCCGAGATTGGACATGTTTCCGCTCCCGTTGGCA
TCGCCAGCTCCCAAACTGCGCCAGCACCTGCTGAACATCACTTTTCGCTGATTTCCGAC
AATTCCACACTGCTCACATTCGCCTCTTGGCAGAGCAGCTCCTCAGTGCTCTTCAGCTGG
TACTTTTTGATGAGTTTCAGCAGGCACAGCAGCTCACGCTTGTCGTGGGACAATTGAGTA
CCGTTTCCCCGTTTATATTGCTCACTTCCAGGCTCATTTTTCGCGGAAAATTGAAATATA
TGGAACCTGTGTACTATTTTGTATGCGTGGAAAAGTGTGACCAGTTGGCATCGGTTGA
AAACGGCCAAGTGGAGAATGAAATATACTAAAATGCACCAAGTACAGTCAAAATATACAG
>EP77648 (+) Dm ACPH-1; range -499 to 100.

CAGTGGCGGGGAGGTCCAGGCCAAAGAAACCGGTAGGTTTCATTCATATCGTCTGCATAA
AAACCACTAACCCCAATCATCGCCATTTCCAGCTTCAACGGGCCAGACCCGGGCCAAAT
ATGGGCGGCAATAGAATTTTAAAGCAAGTGCAATGCAGCAACGATGTTTGCCAGTCCAC
GTGTACTCCACTTAATAATGTTAAGCCGAATTTGTTTTTCATTGTTCCGCGCGCAGAA
TCTTTTAGTTAAGCCAACGACGACGACTTTTAATTTGTCCTATAGCCGTGTACTTTTAAAG
ACCAACATCAACAGTATATTTGTTATTCGTAGTCTAAGATTGTTTCGATATTTATGCAAT
ACTTAAATAATCATATTTCTGTGTGCAACTAGATACGACGAGTCAATCAATCAATACAA
TCATAAACACCATTTGCGTTTTTAAATCATCCCGCCAAAAGATTACTGTTAGGGTCTAGG
GTTGGTTGGGGACAACATATCGTTATCGAGACTTCGAAGCTTTGTGTGGTTATCAAACAGG
TCCCCAAAATTATAAACAAAGAAATCAGAAATTTGGTAACTTCAGACTGCCTGCTGTAT
>EP77649 (+) Dm EG 67A9; range -499 to 100.

CCGCCAGCTGCATCCGCCCGGGGCCGCTCCACTGCTGCTGTTGTTGTTTCGAAATGTTG
ACGCTGTTTGAATGGAACGAAGTCAACGTTGGTCAGGACATTGGTGATCGTCTCCACCGTC
AGCGCTGTACACGTCGTGTGGACCACAGTCGAGCCGGCCCCACGGGTGGCCATTCTGTGCG
CGGTTAACCCAGGAAAGCGTTTATTTAAGTGTTTTAAATTTTTTAAATTTTCCCTTTTTTTT
TGTAATTTAGCCGATAACAGGCGTGCTTTTATACTAAATCGTTATCGTCGGCCCTGCCA
CCGAATTGATGTCAATAATTTCTAAATTATACCACAAGCGTTTAGAAATCCCATATGGT
TTGTGTCTAAATAAGGGGTGGTGGGTGCATCGACTACACCAGCGTTGCCATATTTTGTA
CAGACAAATGTACTAAATACACCTAAAACGGTATTTGGTGGTCTTCCGTTTATGGTCAC
ACCACTCTCAGTCGAAATTAGTTGTGAAGGTAAGCGGTTGCTGGTGGTTCGCGAGAAACG
CAAATTGTAGAAAGAAAACATTATAATCAGCCGCGTCTAAGTGCAAGTGTGATTTATTTT
>EP77650 (+) Dm KARL; range -499 to 100.

CATATCTTGGTTCTGAAATGTATACTTTTTATTTAAATAATTTAATTGGTTATATTGTA
ATTAAATGTCACGACAACCTGCTACTTTTTCCCGCTCAAATCCACTCCTATATATGGCTAA
AATCGAGCCAAGTGCTCAGTAATGTCAATTTATTTCCAGCTACCCGATAATGACCCAGCCA
CAGCTATTCCCATAGAATTCTGTGGCAATAAGAAGGCGCCTTATCCGCAAAAACATCCGA
ATCCGTTGCGTTCCGATTTGTTGTGCACTCGAAGAAACAACCTCTCAATATTTAATAGTAA
AAATAATTTTAAAGATCAAGGAATACTTTAGAACCTTAGATTAAGACACTTAAATAGTGTG
ATGGCACTTACTGAGATCTCCAAGACTTCCAAAACATAAGTTATTGCACCACTGTGTGCC
AAGATTTTTTAGAGTGTACTTATTGCTGACTGCTAATGTGCGCATGTTGCTCGCGGAGATG
GCGCAGTGCCATCGAAAACAGTTCCAGCTACAGCGCAACGGAGATCGAGCGTCTGAACCC
GCCGGAAGATCAACGACAATAAATAATTGTAGCTCACCGTCATCCGGATTAATGGAGAGG
>EP77651 (+) Dm GLYCOGENIN; range -499 to 100.

AGCATAAATAGAAATGAAATATAAGTAAGCGGAATGCAAAATACTTTTTCTTTGGCGCCT
TCCTCCTCACACACACACATTCGCATTCTGTATGTGAAACCAGAAAGAACAAATATAGTATT

CATACTGCACCTGTATATCGACTATAAAGTACGCTGTACGTTGTATGTTGATTTTACCA
TATGTATAGCTTATGTGTTTTCTTTTTTAAATGCGGTAGCCTAGGATGTTGAAAATTATTT
TAATTACATTTTTAAATCCTTTTAAAAAGACCCTTGGCTCGGGACTTTAAATTCATATT
TATTTATTTTTATTTTTCTCACTTATACATTTACCCAACCTGCCTTCGTGACTATATAC
CCTGTGTAGTTCACATATAGAGGGTATAATAAATCTCCACCGGCTTTTCTTGTTGGTGGC
CAACGACGTCGACTGCGCTGCCGGTGGCTCTGCATTGGCATTTAGGCATTTATGCCACG
GCAGTCGAACAGCCGCTTCAGATTCTCGTCATCGCTCGTGAAGGCACATCGAAACGCC
GCTCTCGTTCTGAATTTATTGTGAAAGCTCAGCCGCCACCGCCCGGAAAAAGTCTC
>EP77652 (+) Dm RPN4; range -499 to 100.

TTAGTTCAGGGCGCACACTCGAGTTGTTGATTTGGTTTTGTTGGCAGTGCTGCTGTGGC
CCGGTTAAATATCGATATTCTCGCGGATCGGGCTAACTGGCTAATTGGCTGCGCGGCGAC
TCTCTGCCAAGTGGAATCCTGGAGTGCGGAAATATAAATGTTTCGCTGCGAGCTCCAAA
ACGAATTGAAACGTTGTTTCTCCGCGTACACAACCTCACGCAGAAACAGCTGTTGGTT
AGTGTGACCAGACGGTGAGTACAACGTAAGCCCAAGCCCCGAGCTGTTGTTATCGAATG
AGTCATCGAGTAGTTTCTAGGCACTGAAATAATATCATAAATAATGCTTTCATGTGATA
TAAAAATAAAAAATACAGCCATTTGTTATTATGTAAGCCTTTTTTAGTTCATAAATAAAT
TTTACATAAAAAATTCGCCCAAAAAATACAAAAATACCAAAAAAAGCTAAAAAAAACAAACG
GCCACACAAGCGATCTGTCAATGTGACAGCTGCGTCCGGCATTGTGATTGCAATTTTTG
TAGTTTGGGAATACATTAAACATTACATTTGAAATTAATTCAACACAAAGCGCAGTTGCG
>EP77653 (+) Dm EG 63B12; range -499 to 100.

GTCCCTTTAGTCTGATAGTGGGTAGGCGGTTAGACTGTTAGTCGGGTGCAACGATTCAA
ATCTGACACTGGGTCTCCACCTGTGCATCAAGTGTTCCACGGCGGAATCCAGGATAGAT
CCCTGCAGCAAGTACTCCAGTTGGGCAAGAAGCGGTTGTTTCATCGCATGGGAGAGCGAC
TCACGGGCGGACGACACAATCGCCATTGGCTAATTTTGAAGTTTGGGTGACTATGGTA
TTAAATTAAGTGAAGCAGTAGTTTGGTTTTGTTTTAGTTTCATTTCTTGAAGAATTCTG
TTTTACTAGTGATGCCGTTTTAGACATTTTGAACAGCACTAGCTAGATGCCGGAAAAATC
AAATAGTCTATCGATAACGATGAACGTAATTCGACGCGCACAGAATAATAGCAAATACGA
ATTTTGCTTAAAGCATATTCATAGAGATTGATTTACCGTAAATGCCCAACGACGCCCC
AAAATGGCGGATCATAAGTATAGGCTCTTCAATGCGTGCACCCGAGCAAAGTAAAAGTT
CCCTTCAATCAAAAGTTCCGCAATTTGACGCTATCTCCCAAAAAACGACTCCAGGTG
>EP77654 (+) Dm FLO; range -499 to 100.

TGAGCTGCCAAATTAACATTTATCGATAAAATACTTATTGATTCAGTAAATAGTTTTAT
TCTTAAAAATTTTTATGTGAGTGTATCGTTAAGATCCGAAAATTGTTCAAATTCCTAGA
CGATATCTACTGTTTGTGTGAATGTGGAAAAAATATTTGAAATCCTAGTTTCTGTTTTCA
AAGACTAAAACTAGGCAATACATCTGGTTTCCAAATTTAATGAGTGTGACGATTTTCT
TATTACATTTATTGTGATTTTTAAGAATTTTCGATCTTCTGAATGATATGAGTCATTAA
GTAAATTAGAATAAAAAAAATTTGAGATGTAACTAGATTTTTAAACCAATAAAGACACTT
ACCGCAGCACTACGTCGTCGACGATGATGAATATTTGAAGTGGTCGCCTCAACCCCCG
GCACTCAATAGGGGTTAAAGTCGTTCTGCGCACTCGCGAGTTAGAAATTGAGAACTTTAC
AGATTGAGAGATTTTTTTATTGTGCTACGAATTGCTAACCGAACCGGTCGGATTTCTGAA
TCTTAAGCACCGAGTACCTCGGAAATCTTTTATATATATTATTAGACGAATAAACAAGG
>EP77655 (+) Dm FBP; range -499 to 100.

CGTGCTATCAGTTGCCGTTGAAAACAAAACAAAATGTAGGAGAAGGGATGAGAAAGCCGA
CCATTCTATTCACTAACTTTTATTGCCGATAACTTAAATAATAGTTTCAAGTTAGATCATA
GAATGATAAACAAATGGAATACTGAATTTTTATAAACATTAAGAATCTTCTTATAT
TATATATCAAGTATATTCTTCTATAATACTTTATGATTTCTTCACTTTAATTAATAATC
TATAATAGCTTAGTTATACTCTTATTAGGAATATACATCCCTAATTTTATTATAAATGT
TTAGGTAACAGTGAATATATGTACAGTACCATATACGATCCTCATTAGGATCATCAGATA
TTATTATTCCTTATTTCCCATTTGTTATGCTCCAAGCAACTGAACCAAGTGCATATACCCT
CTGATAGGGCGTGGCCGGCAGTGACGTTTCGCTGGCTTTTCTCCACCGTCGTCGGGACG
TGGACTAAAGCCAAAATAGTCTCTTTAGATCAGCCGTCGACCGCGGTTCTGTTGTTGTT
TGCCAGAGTTTGTGATTTGTTGTAAGTGAAGTGCATCTTTGGGTTCTCGGGGAAGCT
>EP77656 (+) Dm MUS210; range -499 to 100.

CAGTCCGTTCAATTTCTTATCAGCATTGGCAAAACACCAAAATACACAACAAAACCTTTCAC
CAGTGTCACTGGTGCTGGGTAAACGGAATTCGGTGTGTGTTCTGATAAGAAAAGGTGAAGA
CTTCAAGTCAGCATTTAAACAACACTAGAGCGATTAGCTCTGAGCAATTCAACGCTTTTC
AAGCCAGAATTATATATTAAGCCTAGTATACGTTGACTTTTTTTATCCGAATTGCCA
ATTGAAATTGCTTTTAGTTGAGTTACTAAGTATTGAAGTGAATAAGTTTCTGATCAAA
TTAATTTATAATTTATAATATATGAATTTTCAATTTATTGCATTTTTTTATTATTGCAA
AGCAATATCGCTTTGCTTAGATATGAAGAACACAATTTAAAAATTTAATTTATCCCGAT
TTACAAATTAAGCTAGATGAACGACTTCTGCCGACGTTTGACCACACTGACGACAGCTGA
CTTTCTTCTTCTTGCGACATGCGCTTATGTTATCATTATTTGGACAGACAGTGATTTGTC
CACTAATACAGCACTTGACCATCAATGGGACGTTTAAATCTGGAACACACGCTGCAGGGC
>EP77657 (+) Dm CG2862; range -499 to 100.

AGTGTTGCTGTTTTCTGGCAAGTCAAGTGGATTATTGGAATTTGCACCTAGCCGATAGTT

TCGAACTAATCTTGAGCATTCTATAGCGATAAGGAGCGCGCAACATTACGTCAACAAGCT
GTTGATGTTCCACAGATGCAAGTGATTCTCCAGATAAAGATACTGGACTGCACTGATATC
ACAAAAATATTGCCACGGAGCAACTTGATCTTGCGATCAAAAGAGTAGTTTTCTGGTTT
GAAGATCTCTATGATTTCCATATGTTGACGAGGGTTCAAAGTCCACCTATGTGCACCTC
CTTTGAATTGAATTTTCACTAGCCCTACAGCCCTAATTAATTAAGCGATCTATGGCACT
AAATACTTTTGATTTCCCTGTAATAATTTGTTGATGTTTTTTTAAATAATAAATAACA
TTATAGCGACGAGGTGTGAGAGCATTGAATACCCTAAATTTGCCGCTCTGTGTGAATT
GTCTGAAAACCAAGTTGGCAGCGCTATTTGATGTTCTTGTCAACCGGCCGAATTTCTT
TCGTGTTTTTCAGGTGAGTTCTGTCGAAATTGGCTTAATTATCTAAAGTCCCGCATTATA
>EP77658 (+) Dm CG8635; range -499 to 100.

TTCCAATACCAAAAATTATTGCAATCGCTCTATAGATCGGATATAAATTATAGGTAACCTT
GTAGGGCATTAGTATTCTAAGTAATGTCGACGCCATTAGATGGAGCTCGTGAAAATCTG
TAAATAGTCGCTATGCTGCTGAAACAGCCACTTACTATATATGTTTAAACGATATGTCTT
TAAAAGTTGTAACCAACGATGATTTAAATGTATGATTAATATTAGAAATAAGT
TAAATAGCCAAGTTTTGAACCATGTAAACATCGATTGAGTGGTTTAAAGTGTGCGCTGAA
AACCTTAGCTCTTTTTCAAACACACAGTTTAAAAGTGTGCAATTCATGCACACTCCACT
TATTAATTAAGTTGCTGGCCAAGAAATCATTGTTGAGTTACTACATTTTTTAAAGCA
CAATTGTTAAATTAATTAATGATAACCGGTTCTTCTGAGATATGCTGCCATCCGCACTC
TGGTCACACTGACAGGGCCTCTTGTTCCAGCGTGGTTGTGCAAAAAAATTCTGTTGAACT
TTATTTCTACATTTAAGTTATTAAATCCCGTATCCGCCCCGAAGATGCCACCAAAAAAG
>EP77659 (+) Dm MUSKELIN; range -499 to 100.

TGGTATTTGGAAGGCATAATAAACGCCCCAAGTACACACAAGAGACAGCAAGCCACTTTG
CCATCATTGAAACAAATAAACATAACTTCAACCGAACAACTTAAAGCATACGCTAACTAC
ATTTTAATAACTTTGTACACTTGATAAAAAGGTATCACGGTTGAATGAACAAACAGCTTT
CAAATAAATAATCGATACGCCACGATACACTTATCTACACTTTAGCCAAAAAATCGGCTT
AACGTAAATTAATTTTTGTTAAAAATGCACTATCGCTCGGAAGTAAAAAAGCGTAAATG
AAAAGGTCGATTGCTTGTTTTGATTTTACAGCCTAATCTATTGGTTATTTACACAATGC
TAATTGTTGTTAAATGCTAACCGTTTGCCAATGTAATGTAAGACAATCGGTAAATCGACC
CCCTGATGAGATAACGGCTACGCCCTGGCGATCAGCTGTTACGCGGTTGTTTTGGGTGT
GGAACAGGGAAGCACAAAAGTACGGACAAGAAAGAACGGTAATAACAGCTACAGCCGAGC
TCCGTTAATCTTTACCGCTAGGATCGTTGGAATAGAACTCGCCATGTCCTCCTCCTCGA
>EP77660 (+) Dm CG31170; range -499 to 100.

AGTAACTTTCTATTGAACGTTGAGAATCCACAGATGACAGCAGCTTCAGCTGATGGT
AGTGTAGGGTAAGACCCGTCGCTCCATGCAAAAGCTTTTGTAACTGCGAGCTGTGCTG
CCAACCTCAGCATTTTCTAGCTAGATCTGGCGTTTTTTATTCCGGAAGTTAGGTGTCATTG
CATGTGCTTTGCGTTATTTGGTAAATGCTTCCAATTTTATTACTATGCCGATTTCTCTTT
GTGCTTTATTAATAAGAAAATAATGTTTTATTGAACTATTTGCGTTATTGGTAAATGGT
TCCCATTTTATAACTATGCCGATTTCTCTTTGTGCTTTATTAATAAGAAAATAATATTT
TATTGAACTATTTGGAGCACAAATTTAAAAAGCTAATTTTCATTAATAACGGCTACAGCT
ATTTATCGGATTTAGCTACACTTGAACAGTGAGAGTTGGAACACTGTTTGCAACACTGG
ACACGACAGCTACCAAATATTAGCTGCTGTGATTTTGTGTTTACAATTTTCGTTTAAAT
TTTACATTTTGTGTCGGAAGCGCGGGTGCGAGACAGGTGCGCCGTTTCCATGCAAAA
>EP77661 (+) Dm MAS-1; range -499 to 100.

AGTTGATTATCGATAAATCTATTCGATAAGTGGTCACTAATACCGTTGATTAATAAATAT
TGTTGATTTTCTAGTTCCTGAAATCTCGGCGTTCATACGGAGGGACAGAAAGACGAGAAA
AGTCAAATCGACTTTTGATCTGATCAAGAATATATATACTTTATATGGTCGGAACGCT
TCCTTTTACCAGTTACATACTTTACTGTTACATGCCTTACTGTACGAATAACGGGTATAA
AAACCCAGTAGCATTATAGCGTAATTTCAAAAATGTTCTTCATTTGTTGTTTGTAAACAC
CTGGATATGTTGTGAGACATATGATATGCTCTAAATTGTAAAAACCGGACACAAGAAATG
TATTTCCATTTTGTGTTAAACAGAAAGCAAAAGCGACTCATTTATGTAAAATGCCGTT
CGGCGATCCGGTAGCACTGCCTTTTAGTGTGACCACTGGCCACATCGGCATTGCGGGTGG
AAAAAGCGGCGGGCACATTGTGGATCGGATCCAAGCTGTTTTTGGTCGTCTCGAACTCAA
AAAAAGAAACGTAAATCCAGCGGAATTAACGCGATTGTGGAAGGCGTCTCGTTCTGTG
>EP77662 (+) Dm RTGEF; range -499 to 100.

ACGTGTGAAATCGGTAAAATGAGTCACGGCGTTTGACAACACTAGCCCCGAAATGCCGTG
ATAGAGATGCACAGGTCAAAAACCGTACTAGCGCCAAGCATTAACTTGAAAATGCAGTG
CGGACATCTTGACCAAAGACCCTAGAATTCTAGTGTCTTTGTCTTGACTATGTATTATTT
AAAGGCTTTGAAAATATACGTTTGATTATTTAATTTTTGTAGTAGTGGTAATGGTAATAT
ATCAACAAGAATTAACAAAAAACCTTTACTCATTTACAATTACCGCGATTTCAAAAAACA
AGAACATACCAAACTAAAATTTATAATTTCAAAAATATATGTGACGAAAAGTGGTTTATATT
ATTTTTGAATGTGATTTATCAATTTACTCCAAAATATCGATGCAAAGTTACGGAATGCT
CCCCGATAGCCCTATCGATGCCGAGGACCTGTTGGCACGTACACATCTTTAGTTTGGCTG
CGGCCGATTGCAACCTGTTTTCTAGGTTTCTATTTTGGTCGAGCGCTGTGTTTTATTT
ATGTTTGCATGGGAAAAGAGAGTTGCTAAAAGTGCCTAAATACGTGCACCTGGTTTCA
>EP77663 (+) Dm CG5694; range -499 to 100.

CATCAGTTGATTTATTGCTTGTGATGGGTTGCAACGAAATGTTACACCACAATTGTCGTCG
TTGCGTGAAGAGGTTTGTATGAAAGAGGGATACAGAGGGATACTTTTTTATATATTATCT
TCCACTTAACATTTAATGCTTCTTCTCTTTAACAAAAATTTTATATCACGGACCTC
GTCCTTGTGTGCTACTAAAAAGCTAGAAAAAGATACCATAATAAAAAAATGTTTTAAAG
TTTTTTAAAGGTATACAACCTCCTTTACTTTGTATAAGAGATTAACAGATGTTTGCCTC
AGCTGTGTTTGTGGAATCGAATTAATTCGATGTCGATTTTACACAAAAATTCAGTACA
TGTATTTTATTTACAGTAAAAAACTTTTTAAGAGCAAAGTAAAAGTGAACATCACATT
TTGTTCCATTTCCGCGTTTCAATTTGAAGACTGGGTAGTATTTGTCACAATTATTTTCAGC
CATTTAGCAGTCAGTTCTCACTTCGACTATTCGATAGCAACTACAACAAATGGTTTTTTT
ACGAAGAAAGTGTTGTGTACTGTAACATATGTTATCATATTTGTGATTGTAGATCTCGGTG
>EP77664 (+) Dm CG3529; range -499 to 100.

AAAAATTAATAATTGTTTAAAGATGTGGGTGTGATTACAATCCAAAAGGTGCAAGGTGCAA
GGTGAACAATAAACTAAGAACAATCTAATGTGGGCGTTGGAGTGGTCATGGAACATGG
GTCAACAATCTTGGGCTGCGTCTATGTCTCTGGAATCTGCACGCTTAATCTAAACATTCT
AGCTTAAATAGTTTCTGAGATCTCGACGTTCAAACGTACAGACAGGCGGACATCGCCAGA
TCGACTCGGCTACTGATCTGATCAAGAATATATATACTTTATATGGTCTGCCTGTTACA
TACTTTTCAACGAATCTAATAAACCCCTTTACTCTACGAGTAACGGGTATAACTATGTCA
TTATCTCAAAAACTGTGGATAATTTCTTTTAAATAAAATGAAATAAAATGCTGCAGCCCTG
GAAAAAAACCTATTCTATTTACCCACTTATTGTAATGCATTTCTTTGTGGGTATTTTTT
GCTGAGGCCAGCCATGGTCACTCTGCTGTAGACAAGTGCATAAACATTTTCATCCAGGTGA
ACAAAAAGTAATAAAGAACAATTTTAACCGCACTGCAACCCAACGGCGAGCATTAATAA
>EP77665 (+) Dm LON; range -499 to 100.

CTGCCAGCCCTGGTTTGCATTGCAGAACTACAGTGGATCCTTCTATAACCTATGGTTAG
TTATCCGTTTTTCATGTGCTGACAACAATTGGACAAGAATTTTGCACACATACTTGTATTG
ATAAGCGGAAAAATTTCCCTATATGGGAACACACATATGCCCTTTGGTCTCAACGATGAA
GTTTGCTAATTTCCATTATAGTCCATGGCATACTTCTTTACATAGTTGACTTTTATGAG
TTCTTACCGAAAAACCAACACTAATTGTAGCGCATAATAATTTCTCTCAAAAACTAGTGG
TAAACGTAATGAACAATAATAATAAAGCAATAAACAAAAATTCGAAACTTGTGAATTA
AAAGTTCTTTAAATATTAGTGCATTTGGTATTTTGTGTAGCTTCTAAAGCCTTATTTT
TGCTGGCTTTCTTGTCTTCCCGTACACGGGCACACTTGTGCGCTGCAGTTACATTTAC
TGCTCCGCGTCTCTGGGCACACTGTATTGTTGTTGCTCGACGAGGAAATACTATTAGTA
TTTTTTTTCGTTTCATCTGAAAGTTTAAAGTGGACGAAACGAGCGGCGGCGACTCGACAC
>EP77666 (+) Dm PP1-BETA-9C; range -499 to 100.

TTTCAAAAACAAATAAAAAATAAAGGTTTTCGTTCCCGGCAATGACTATTTTGACTTCAATT
TCGAACAATTGATCTTAATCTAGCCGTATGATCATCAAGTCGTGATAAAGTCGCCCATA
TTAAAAATCATCAATCCACTTGAGATCAAAAAATAGCAAAGCCGCGTGCTTCGAGTTTTTC
TTGTTGGCGACGAGGAACGGACAGATGGTTCGAAAGAGCCATTTTCGATTTAGCTATGTGTG
TGCAAGGATTAGAGAAATGTGTGTAGTTAATATCAGTTAATAACGAAATCATAGGGAG
CACACAACCTGTTTCGGTCGAGATTTGAGTTCACAGTAAGAAGTTTGAAGGCACGAGCGTT
GAAGTGCGAAAAAGGACTTTGACAGTTAACTCCCGCGTTGCTGAGCACTGGCTGGCTTCG
TTGCCCATCGGACTATCGATAAAGTCGAACTGTAAAGCCGCCGCCACCAAAAACTTTTTTC
AGCCTTCCGGCAAACGGTCATACTCAGCTAGCTGTCCGACGAGTTTTGTTATTGGCGGAG
AAAAGATTACGCTGGTTTATAAATCTCAGTTAAGCCGATTTCTCAGCTCCTCTCCCTCT
>EP77667 (+) Dm BIN3; range -499 to 100.

CATTGGAGTTATCTGTTTTCTTCGCTCTTCTTCTTCTCACATATGGCAGCATCTGTTAT
CGACAGCAACTATTATCGGTAGTCCCGCTAACAGCGTGCTGTAAAGCGATTTGTGTACCA
GTGCTGTTAAGACATCTGTGGTCCGTCCTTCTGTTAGCTGCTAACATGCTAACTCTCGGTC
AGCTGTTCCATCTTTTTTTTTTCCACAAGCGTGTGCAATCCATCAGAAGCTGTTTCATATTG
TTAATTGAATCGATAAGACCAGTGTGGTAGCTCTTTCTTAAAAATATGAAACCTCTGCT
CGCCAAATAGAACATTATCACATTATCCCTCATATTAGCAAGATGTCTTCATTTTATGTT
GTTTTCTTACAACAGTTATGCATATGCATATGTACATACTATTATAAACTTCATTGTTTT
TCGATTACTAATTTTTTTCATTTTTTAAATTTGGCAACACTGGTGGGCTCTGTTAACCGAGA
ATATATATAAAAAATATGTTAGTTGTAAGTGTTCCTTGCAGGAGACTGACGCACTTATTA
GAGCTCCGCGAACGGAATCATATTTACGGTTTTTTTTTTTTTTTTTATCAAGAGTGTGGCG
>EP77668 (+) Dm RAB4; range -499 to 100.

TGTCCACTGTGATACCGGCGGTGTTTCGTTTTCTTTGGACTCTGATATCTGGCGATATGA
AGGTACGGCAGATAGTGCTTATCAGAATGGTTAATTTTAAAGTAATTTTCCCTTTCTGCC
TGAGTTTACAGAACTTCAAGGCGAGCAAATTTGGCATACTCAGTTTATACGGCCAAGGATC
CCATTAATTGCTATCAAGACTACGAACCAGAGAAGCAAAAGGATACGTAGACTATGTGCC
GGGTTGGATTACCAGGGGCCACCATCTTTTATACTTTTATTGCATATATGTATGTATGCA
AATTGTGTGATGAATAGAAGAGGGTTTTTGAAGAAAGACAATAAACCTTTGTGGGCTGCA
TTTCATATTTTGTTTTTCTTTGTAGCTTTTCGGCAATTTTCATATATTTGGAAATATTTT
AAAAGTAAACAAAACTTAATTGCAATATGAATCATATTTTGAACCACTGGTCACACCC
ACCCCTTGTGGTATTTTTCGCGTTTGTAGCGAACCTTCTCACTGAAGTGAGTCCAGTCAA
AGATTTTAAAGTAATTTTTGGCTTTCTAATTGTTTAAACGCTTACTTATCGACGGATATT

>EP77669 (+) Dm BCDNA RE49709; range -499 to 100.

ATCTCCGCTGACGCTCCTCCGTGAGCCGACGGAGCAGCAATTCTGTGGCGTCTCCACG
GTGGCCGGCGAGGAGACGCCGCGACTGCTTTCGCTGCTGCGCTTCTTGCCTTGGTGGCC
TCCACGCTCTCCAGCAGATTGCCGACTGCATGGCAGATTCTTCTGCGAGAACCAGTCC
GCCGGTGGTTACTGCTGCCATTGCCGAGATCGTCTTCAGCGTGGGCTCACCGTGATC
CAGTTCTGGTCGCCGCTGACGAGACGCCGACGCCAGGATGAGCTGCTCCGCTTCGAC
CACGTGTCCAGCGCATGCGGCTCAGTTGACGGCGCTCTTGTACCCCGGCAGACATTCTA
AACTGCAATTTATTGATTTCAATCAATAATTCGTAACAAAACAGAATGCTATCGATGAC
TACACACGAATCTGTAATACTGCCTATCGTCGAAAATGCAGTGTGACCCTAGCACTGCGA
TACCGATAGGACTGGCTTATCGATTTGCTAGCACCGCTAACCGATAGCAACACAAAAACA
AGTTTTCCGAATTTAATAGCCAGTTAAATAAAAAAGGCGTTTCGAAATGGAGCCCATATC

>EP77670 (+) Dm NES; range -499 to 100.

CACCATCGCCGCTAAAAAAAATTTGTATTATATTTAGGTGTTTATTAATAATATGGTACG
TACAGTTATTATTACACATATTATGTGTAAGAATTATTAGTTTATTATATATAATGCAAA
AACAAATATTAGTTTAAATATTAATTAATAGTAATTAGGCAATTCAAACATTATTTGTAAT
TATTTCAAATAAAATAAAATAAAATATATTCATAAAAAATATGGGACATATGTAATAATGT
CAAAGAATTATTTAATAACAATGCATAAAATACTGTTATTAGCAGTTTCGTTTTAATATGC
AAACAAATTTAATCAAATATAAATAAAGCATGTTTTTAGTAGATAGTAAAAACATATATG
GTTATATGTGGATCCTAAGTACTACTTTTTAAATGTTAGAAACAGTGGGTAAATCCGTGTG
CCTATTACTGTTAGAGTCGGTAATTTCCGTGCTCTCGCCTACGGCCACACTGCTCCAGT
GTTAGTAACTTAACTTTAGGTAATTTTGGCCATAATTTGGCATGCCGCTCTCGATTTTGT
TGCTCCCGCTCGCTTTCATCAACTGGCCGTGAAATCAATAAGCATAAAATATTCAAGTTC

>EP77671 (+) Dm CG18143; range -499 to 100.

TGTGGGACTACAGGGTAGGTAAAGGTTACATATGTACAGGTGCGAGCAGTGCAAATATGT
TTATTCTAATGAAATCTTAGACTAACTGTAAATTATATAATGGCTATATTTCTTTTACCC
GTCACTCTTACTCTTCTTTACTTCCAGAAAGGGGGTTTTGTCTTAGCTAAACATATGATT
AATGTATTCTATGTTTTTCAATATTCATTCCAATATACAATTTTACAATTAATGGTTTT
GCAACAGCTATTTTGAAGTTAATTATTGCTTGTGTTTTGTAGTTTTTACCGATAAATCACAC
GTGTGCAAGCGATCGCTTATTAACAGTAATAAGTAATAATTTAAAGTAACGACCAA
ACGATTGGGAATAATCTTCCAGCGATTTAAACCTTGAAATAAAAAGTAAGTGTCATCCC
CGTATGATTATGCGCACATTCGACGGGCGACGCGTGCACCTAGGCGAGAGTTTTAAACT
TGTTACAGCGATCTTGATCATTACATTCTCAAGTCTGTCTGACAGCAGTTTAAGCCCGC
TGATAGTAAATCAGAGCAATGGCAACCGTGTTTCTTGGAAGTGTCTGTCACACCAAGTCG

>EP77672 (+) Dm CG3508; range -499 to 100.

GAAGTACGCCAGCCAGCAGTTGCGCATCCAAGCCTCGAAGCTCTGTGGCCTGACCAATTC
CCAGGAGTGCTACGGCAACGCTGGTGGACCACTGATGCTGTTCAAGAACGATGGCTATCT
GCTCGGTGGACTGGTGTGTTTGGACCCGTTCCCTGCCCAATCCGACTGGCCGGATGT
CTACACCAGGGTGGCGTCTACATCGATTGGATTACGACAGTCTCAAAGCATAGATTGA
AGTAAATACTTGGTACAACAAAATGTTTCAGTAAAACAACTAAAATAATAACTAAATCTT
TTGATTACAGAAACAATATTTCAATAACTTACCTTGTGGGTAAACAAAGTAGAAAGATTGTC
TTTAAATATGGAGATTTTCTTATTTATTTTGAATTTGGCGCCTAATATTATTCAATGTG
ATAGCAATTGGGGTATTTTGGTTCGCGTTAGGCGGAGAACTTTATGTGGGACTCCGGCGT
CAGCACCTGGTTACACTTCAATCGAGTTTTAGTTCGCTTAGTATAAAAAATCGCAAACCTA
CAAATCGGCAACAAATCTCCAGTTATAGCTTAAAGTGTTAATTAAGTGCTTAATAAATTA

>EP77673 (+) Dm SMP-30; range -499 to 100.

AAAAAAGCAAACCAATCCTTAATTATGTGAAAGGAAAAAGCTTTGCATATTTGAGAAA
TTCTTTAAATGTGTGTGAGATTGCGAATGGTATTATTTTCATGGAGCCACAACATTTCA
TTAACACAACAGATATTTGAGAATGTCCATCGTGTACCATAAATGATTTTCAGCTTTTA
TATTCAAAGAAAAATTATTCTAATATTTAAATCAGAACAATAATCAGTGTGATTGTTTT
ATACCTTTTAAATATTTATGAATAAATAATGTTGTTGTGCGATTTGTCTCTATCTCTGG
CTTATTCAGTGTGTGTAATAATGTGCACCATCATAGATTAAAGTTTTCTACCTTAATAAT
TAATGTAGCTGGTGTGTTTTGTGTGTTGGTGTGATAAGTTGATAACAGTTGTGTACAACT
TGAATTATTGCTTATCAATTTGCTATGTGTAGGTGTGAGAATGTCTATAAAAAACATCTAA
ACTAACCGGATTCAATTCAGTTTGCAAACGTTAGCTGACCGAGAAGTATTCAACGGTTTC
TTTAAGGTGATAAAAAAAGAGAGAGTGTACATGTTCAATTAATTTATATATGGAAC

>EP77674 (+) Dm CG12203; range -499 to 100.

CACGTTATCGGTGCCGCTCTGCATTGCGTTCTTGGGCGGAATATGGATGCGCACACGGCG
CTCCCGAATGTGCTCCTCCGAACGCCGCTGATCGGGCTGAGATTACGGCAGTCGGCAC
GGTGATCTTGCCACTCAGCTTGTGCGCTGCTCCAGCTCTTCGGGGCGGGCCAGGGCCGT
CTTGGGGTCCAGCGGACCGCCGTCCTGGCGGTGGATGCCAGCGGGCAGCGGCTGCCCT
GTTGGCCTGGTACCTGCGGTGTCAAGATGCGAAAGTGGATAATTAGAGGGCTGCAGATTT
GCCAGGTGCGATGCACTTGCTCCGGCCAGGCGGGGTACCTACAGCTGCAGGGAGGCGGT
GCTTCTGCACATCACTTGGCGGAGGGCCGACATTTGCTAGGCGTTTTGGGGCTACACGGC
AGAAATCGGCTTCAAATAACGAATTACGTAAAATTTGGAACACAAGCGCTTTTCGATTGG
GAAAAACAGCTGTTCCGAGTGCCAGTGTGACCAGGCGAGCGGTGAGTGTGTTTTATTCTAA

TTGGAAACAGTGTGGCCCCCTCGCCTTGGATGCGATGCCACAATAGTTCAAAAACAGTTTT
>EP77675 (+) Dm CG3838; range -499 to 100.

TTGAGCAGCCAGCTGTGTGTGTTTGTATTGGCGCATTGGTGTGTGTCCTGTTAGTATCT
GTGTGTGTGCGGCGGAGAGTGTGCGTTGTTCTCTGTTTGCTCGCCGTCCACTCGTGTCTAT
GTTGTTGCTGTTGCTTCAGTGTCTACGTAGCCGATAGATACTGGTTGATACACTGAGGG
AATACGTGTTTAAATGGTACTTGTGTTGAACCTCATACTATTAAATTAATACCGCTTACA
TGGATCATTAAATAAAGTCTGCAAATAATTTATATTTTCCCTTTAATTAAGTTTGGGGC
TAATAATACATTACCAATTTAAAACATCTTTATATTACATTTTACAATTGCCAAGTGACA
ACTCTATTTCTCTCAGTGCACCGCTCGCTCTCGCAGGGCAGCAGTCGCATTTGTGGCTGT
GTCTGTGTGTTTTCTCTGTGTGCTTAGTCGCCTTGGTCGCTTGGTACCGGAAACATACG
ACATTGCCAACAAATCCAACAGTCCGCCGCCGATTCCCGAGCGCCGTGCACCGTCGACTCG
ACCGCGAGTTTTTCGAATTCACATTTTTGAACGTTACGTACGTCTGCTCGGTCTGCTGCAGCA
>EP77676 (+) Dm CG8774; range -499 to 100.

TGATTGAAATATAATTTTATAGTTTTATTGTTACGCCTTTTAAATTATCTAAAGTCATTT
AAAACTAAAATATTTACCAAAATTGAGCAATATACGCAGACTTTTAACTTTAATAGTTCT
ATTAAGCAATGAATATGTAATAAAAAATCTTTTTTCTATTTTTCTCAGTGATGTGGAGA
GAATCTAATTAATATGGCTAATTACCAATAGCACAGATTTGCGTTAGGGAAAGATAAAA
GTGGCTTAAATGATGTTATTAAACCCATAGCACAAATTATGGTGTCTAAGCCACGCGAAT
TCATACCCTACCGCTCCGTATTTTCCCACTTTCTCTGGCTTTAACCCTATCGCCATTTG
ACCGTAATCGCGTCAATTTGGCCAATCACTATCGCAATCGCCGAAGCGAACATAAACCAT
TTCCAGTGCACACACTATCAACTAATCGAATATTGGGCAACAAGTGGTAAGAGTTGGTTC
GAATGACCTAACGCTAGTTAGTCGCTCGCGACAGGTGCGATTGCTAAGATGTTCTCAGT
GGCTATTGGTTGCAAGTGGTCTCTCTGGCGGTGGTGGCCTTTGCCACGGCCACGGTT
>EP77677 (+) Dm CG10598; range -499 to 100.

ATGAAGTTAGCTCACAGAAAAATAAAAATAAAACAAAATCAAATAGGTAATAATGTAT
ATTACTCGTATTCAAATGAATTTTCGTAGCATAAATGCAGATAGAATCGTGATCACTAC
TCAAAATTAAGTGTGATTTTGTGCAAATTGAACTGTGTGCTCTTCCACTCCTGGTCAG
ATGATGTTGTCACTCGATTTCCCAACGGCTGCAGCTCTGCATTTAACACCTCCCAACCCA
CTGTGCAAATAAAGGAGAAGCGGTTCTCATCCGAAGTGAGCCGCGCATGCGCACAGAT
TAGCATAGGCAAAACAAAGAACCGCCGCCAGCATAACCGAATGTGGGTATTATGAAAT
CGCAGCCGAATCAATGATGCTGCTCTGGTCGCTCTGCCCATCAATGGCTTCTAATTGGGC
CCCCCCCCCATCTCATTGAGCGACCCATCGATTTTTCGGGGGTATAAAGGTGTGTGC
TCCGTCAGCGGTTGGAATTAGTTTGGTCAGCTGTTTGATACCGATTGTATCCCATTCGCT
ACTCGAGATGAAACCTTTGCCTGCATCCTGGTGATCCTTGCCGCCATCCTGTCCGTGGG
>EP77678 (+) Dm STC; range -499 to 100.

TTATTCAATTTACATTTATTTTCAAGCAATAATTTTGCTAGAAATTAAATTAGGAATAGA
CATTAATTATTATTAATAATAGGCATATATATTGGCCAGTCAATAAAGTATAATATCAAAT
ACAAAAGGATTCCAGGATTCTAGAAATAATATTTGGATTGGAGATATGATTGGGAGTCC
AACTAGGTAATTTGCTTATAATCAGATAACGCAGCCTTATTTAATTCAAATCTTCTAGT
GACAAAAATTAAGAGTGTATGTTTTTTTAGTAAACAAATGAACGAACCGTTGCAGTACA
TTTAACATATTTAAAGTGCCTCTCACTCAGCCAGATGGCGCCACCTGATAGTTTATTA
CCACTGTAGGTGTGTTGAGTAAACGAAATCTTGCTGTAAATTGTATTACAGCTG
TCCTAAAACCGAGTTGGCAGCCCTTTTCCCTCAAATCGAAAGTCTGTTAATATATCG
ATAAGTCAAGGCAATTGTCACTGGTACCGTTTCGTCTGGTATGACCGTGTGTGAAATTT
TGTTAGAAATTTACAATATAAGCGAGCATAAAAAACGCAGGAAAAGCGCAAAAAATCAG
>EP77679 (+) Dm SYX5; range -499 to 100.

TTTTATTGACCTGGTAGAGCTGCGGACTTGGCAGTCGGCAAATCACCAGTAACCAGAAGT
AAACTCACAGGCCGAGTATTTATAGGTGAAGTAGTACGGCGTCAGCAGGGCCACACAAT
TTCCAAAGTGATACAGTGATTTTTCTTGATAAATTATGGCTATTTTATTTTGGCTTAA
TTAAGAGAAGAATTAAAGATTGAAAAAGAAAAAACTAGCGTTGCTTGCGTGGGTTATCG
ATATGTGCTTAACAGGGCTGACGGCATGTGAGGCAGACTATAAAAAACAAGCTAGTTTTG
CAGACAATATTTTACAATAAATATTTTAATAAATACTATTATAAATAAATATTTTGAAT
ATTGGAACAGTGTGTCTTTCCGAACGAAAAGAGTAGCAACTGTTTTAATCTGTTTCGT
GCCTATCGATAGTTGCTTAAATATCAACACGTCATCGTAATCTATCATCTGGAGGTGTGT
TCGTGTGTGTGAGAAGAGTGTGTGTGTGTGCGTTTGTGAGTGTGTTTCTGCAACCTTTAGC
AATTATTATGAATTTTTTACAAAAACATTGGGAAATACTTGAACGGAGACCAAATTTTA
>EP77680 (+) Dm TUP; range -499 to 100.

GGCCACCTCCTGACTGCCTCCATTTGTGGATTGTGGATCCCGCAGCCACAGCTGGAGTC
GGTCATGCGCACTCCGTCCAACCGATTGGCCCGCTTCGCCGCCATTTAGAAAAGGCCAC
CAAGTGGAAGCGAAAGAGATGGGCTTGCTGCCAGAAAAGGACGAGCGTGAGAGCGCTGC
CCGAGAGCGAGTGCAGAAAAACACCTGTTCTGTTTCGAACTCCCCCCCCCTGCAGG
CCGTCACTCCATCGAGTCGGCTATCCGCTATCGGCTATCCGAGAAGTACACGCAGAACTG
GCTCGAACCAGTTGCAGCTGCACCAAGTGCCACACCAAGTTCCCTACCTTGCGGAGCGAC
GAGCTAGTCGCACTGCTCTCGCAGGCAGAAATGTATCTGCGAGATACATTCGGGGTGAGT
GGCTGGCTGGCTCGCTAGCTCGCTGGCTCCCTGGCGTGCGGATAACGTACGGCAAACGGA

ACGAAGCGCCGACCGGTTTAGTCGTTTCAGCAGTCTCCGTGCAGTGAGCATGTTTGTGCGC
CAGACATCGTCGTTGGTTCGGTTGTCGTCATCGCTACTATATAGCCGTCGTATCGCGAACA
>EP77681 (+) Dm CG7331; range -499 to 100.
CAGTTCGTTGTTTTGCTCGATTGGAACCTCGATTGAAAGGATATTCTCACAGAATGCGC
ATCTGCTGTTTCAATTTGGTTTAATATTATTTTGAAGCTCGGCCTAATAACCGCTTCAT
AATTGCCGCGAAAGTGTATGTCAGTCCAATCAAAAATACTATAAATGTTATCTGTAATT
GAAATTTTATATCAAATTGACTACTAATTTCTTTGCATCTTACTAATTGCATTCAAA
AAACATAACTTTTCAAAAATACATGTTTAGATATACGTTTATTTTGACTGGTATACCAAT
ATATATCTTTTTATAAAGATAAAGCCAGTGCTGCGGAAGCTTGTCGCTGGTGCAGAAGC
TCGTGTGTGTGAATAGCTTCTTTTCGAAATCAGTGGTACCGAGCAATATCGAAACCAAGA
CATCCCTAACACGCCCATTATCGGACTATCGATACTATCGCGAGTGCTAGCTGACGCTGG
TCTGGTTTTATTTATGTTAACGGGAGTGATCTTGCGTACAAAACAATAACACGGAATCGC
AGTGAAAGGGCGTTGCACAAATGACAGTGTGTTGGCAAAATGCCGGGCTAGTTTTGACC
>EP77682 (+) Dm ADK1; range -499 to 100.
TAATACAAATATGTTACAGGAGGATGTTCTATGGTGAACCTCATGACCAGAAAATTCAAA
TGAAGTATATCCCATCGCATTGGTCAAAATGGAGGTAATCAGGAGGAGACGGGAGACAG
ACACAATGTTAAAGGAAATCCAATTAATATGGATAAGATCATAAATCGTCACAATAGCA
CTTTAAAGAGTTGGATTCTTACTGTTTCCAACACAAGCTGAAACAAAATTAGCACAAATA
TACATAGATTCAATGAGTTAAGAAGATAAGCCAGGATCATAAGAATCAAATTTGAATTTG
ATCATGACAATACGAATTTCTACGACAATACACTCAAAATTTGAATTGACCAATTCGGG
TTATACTCGAAAACGGCCAAAATAAAAGCACTGTTAATCGGAAAGCTTTGTGCGAAAAGC
TCGCGTGTCTGTGCGCAGTGAACCGTTAGCCGAATCGGATCGAATCGAAACGGAATCGA
AAGCCTTTTCAATCACTCAGTCACTCTCAACTCACGCAGCACAGAGGGTGGGTGGAAAAC
AGTCGGGCGGAGCATTGAGAATCTGGGCGAGAATCGACCGACCAAGTGCGCTAAGGGA
>EP77683 (+) Dm CG17124; range -499 to 100.
GATATCAAACAGTTATTTAAAGCGTTTTGAAAGCAGAATAATACCAATAGAATAATACC
GCACTGATATGTTTTAGTCACAAGATAGTTTGTGCTCTCATACGCAATTTAGGAATAA
CATAAAACTAATTTTAGTAGGAGTGACTACGCCAATTCGGAGCAATATAATAGGAATC
CAATAGAAAATAGTACGAGCACTATAAATAACATTTTACGATTGGCTAGATAGTAAATTT
AAAGATCGCAGCTTTGGATTATCCCGCTGTGAGTAGTGAATACTGGAATCATTGGAGCC
CGAAGCATTGGGTGCTGAGCCGATGGTCATTAGTGGCACCATAATCCCATAGTCCGCGAC
TTCAGTCCACGAATCCACAAATCAGCAGTCACATCAACGCGCACAGCGCCCGGAGAGTT
AACAGCGGTGAGAGGGCTGTGTCGTTAACAGTTGTGTATCCGGCAGATACTTTTC
CATTGCGCGACTCAGTTCAGTCTTTTATTGTTGCTCACCAGCTGCGCGTGCTAAGCTCCG
AGTTGCTAGGTCCAGAACCATACTTTTTAGATACTGTATCCAACTCCGGGCAATCCGCT
>EP77684 (+) Dm ANON-84EA; range -499 to 100.
TGATATGATATGAAAAATATGTATATATGTATATATGTATATATGTATATATTTG
TATTAATAACACAAATATTTTTCAGGCAAGCTGGCTTTTATTGTAATTTAATTACGATTT
GGTGTCTATTTATTTTGGGAATAGAGTACTAGTATTTACACAAAACATCTGATGATTCA
TTTATGAAATAAAAATTCAATATTTTCAATAGAAGCTCTACACAGCAAATAAAAGCTTTT
GATGAAAATATGTTTAACCCGCCGTAAAATTTTAAATCAATCCAATTACATTAATTCT
GCATTACAATATAAACCCAAAGCTTTATTGATTAAAACCATACTGTGCGTAATATATACAT
TTCAGTTTCTTACAATTTAAATATCTAGTAAAAAAATTCGCTAATTGACAGTACTATAT
AACTGAAACAGGTTGGCAGCCGAAGGCAACAGCTGATTCGCTTTATGAATGCGGAAAAT
TTGTCTGTGTGTTTATGAATATTATGCCGATCAATGGAACGAGGAATAGTTATGTGAGTG
GCTACGCGGCAATCACACATACGTAATCTGTAGAAAACCCCGCTTGACTCCTTGCCAGA
>EP77685 (+) Dm PDSW; range -499 to 100.
GTACGCACGCCGCTGTTTGTGTTTACGTTTTTCAGCCAAAAGTGAGACTCCGCTGGCCAAG
TAAGTGCTTGTGCGTCCGACCCAGCCACCTGCTCCGCTACCTGGTGCCTCCTGGGCTA
GTTACCTGCAATTCCTCGCCGTAGGAGCTCAGTTACACATGCTTAGACCGCGTTAATCC
TCGATTTTCAATATCTAATGGTAACTTTACTGGAACGCTTTTTGTTGGTTTCACTTTTGTG
GCTTCTGTTATCACTATGTTTTCAGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAATTGGTTTACGTTTGA
GGTCTCAAGTCATTGTTAATGGTTATGCTGCACACTGTGCAACAGCGTTGAAAACAATAA
ATTAGCAACTAAAAAAAAAAATTAACCAAGCAATATTTTGTGAGCGAAGCCAGTGTGAC
CGCAGTGTGCCAGTGCGAACATGCTAGCTGCAGTGCGGCATAGGTGTGACCACTACCTCG
AACAGCTGATTTTCACTGCTCTGAGGAATTTTCGCAGTTACGAACTGCGGTCTACAACAA
ATTTTAACACTTAGTTTTTCAAGTAAATATGGTTTTTTAAGTATTTTCCGTCAAAGGAAA
>EP77686 (+) Dm DLP; range -499 to 100.
GTGGTCTAAATGTTGTTACTGCGCTTTGCGGTCTATTGTAATGCAATACTAGAGCTTAGC
TTGAAACAATTCAAGTCTAACCGGATTGCCAAAGTTGAGCAGAACCGTTAGCTTTTAAACG
TATAACTAAGCTTTTCGTACTAATTACCGGATCTGGAATTGTTGCAGGAGATGGTGTGTTG
CAACACTAATCCAGGGTCTAAATGATTAAGTGAACCTATTTTTAGAGATTTCAAATCAG
TTATCAAGATTAATCTTAAGAACAAAACCTTACATTTTTGCAATTTTACTACGTTTTTA
CTATATAAAAAGGGATGTAAAAAATCTTGAGGCTAAAAAGAGTTTTAAAAATAAAAAA
CTATTGAAAAACAACATTTTTAGCAAAAAAGAGCGTTGCCAGATGCAATATGTGAAATTA

TATGCAATGGTCACTCTGTGACAACTCGACGATAACAACGTATCTGGTATCGATGTACGA
TAGGCACCGATAAGTTTACACAAATAAGCCAACTCAGCCGAAAAGAATTCGGTTTTTCCA
TCTAATTCATAATATTTACGAAAATGAGCCGACAGCAGAATGAGGAGGACACCAACTCG
>EP77687 (+) Dm CG32469; range -499 to 100.

GTTGTTGATAAACCAGAGCGAGTGCACACTCACACACGCACATTTATGATGCGCGTATGCG
TGACAAGTGCTCTGTAGATTTGGTTTTGTTTTTAACTGCGTAGTATTTATGCTGCTC
TTTTTTTCAATGCTGCCCCGTGTTTTATGCTCTATCCATCCAGTGATGGCGTCATAGTT
ATATTGTTGATTAGCTACTGCGCACTTAGATAGCATAAATATATGATTTTCCACTTCTTT
GGGTGTTCTGTTAGTCGTGGAATTTGCAGTTTCCCTCTAACATTTTTATGCTGCGGGAAG
GCCTCACACTCGCACACAAACACACATGTGTCTTATTTGGCTTTTCCAAACGCAGGTAGA
TGCCTTACATGCATATATACATACACAAAAACAAGAGAGAGAGAGTCCGAGAGGGAGAGC
GCGTCGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGGTAACTGTAACCTGGCCGTTTCTTTTCGTTTC
GTTTTTCTGTCGCTCAGTCTCTGATAGCCAACTCTCGGAAGCAGACCGATAAGCGCTTTT
CGGGCAATTCGCCCAAACCAAAACAACCTGAAAAATACCCAACAGCCAAGTGAAAAGCCAA
>EP77688 (+) Dm CG3884; range -499 to 100.

TAAAGATTATTTTAAATATTTTCAGTAGGTAAAAAATAATTCAAAATGAATGATCCTTTTT
CTATTTAAAGTACAAATTTTCGACATGCTTATCGCCCTTCAACGGGGGGGATTTTTTGA
GCATGGGCGCTTCTGGCAGGCGTCATATTGTTTATGGGTCTATTTAATTGGGGTTCCACC
TGTTGAGAGGGCACAACAATAACATTTAAACAATGTCCACATGCTTCGATTTACTTGTT
TTTTTCTTTTACTCCCAAAAGTACCGCTGTTTGGCCAATGATTCATTTTCGATCGATA
AATGGAATGCTTTTCTGGAATGGAGCTTTTCGAGACTGGAAGTTAAAATTAGTGATAGCA
AAGGTCCCAATATCAACTGCACCTTCTTTTTTATATATGTACAAATGCGAATTGAAAGAT
AAAAGCTCGCCGATAAGAAGCAGTGACGAATCGCTCTGGTTCGGTTTTTAAACGTCAGGC
TTTTGCAAACCAATAGTTTAGTGAAAAGACAACTTTGGTCAGTTCAGACGCATTTTGA
GTCAGAAGAACGCAAGTGAATAAAAGAACTATTTTTCATAGGAATAACTTATCAACAAT
>EP77689 (+) Dm BCDNA GM09417; range -499 to 100.

ATTTTTTCTTTTGGCTCGGAAGCGCTTCCCTCCGCTGTACACATTTCTCAAGGAATCT
AGAATACCCTTTTACTCAATGAGTGAGTGGTATAATTAATCCATTGTTTCAAGTTGATT
AACGATTATTACACACTTATACGACTTAACTTCGGATTTTAAAGGTCAATTTAACGTAGCA
AGCATTAACGTTCTAATAACGTTCTTAGTGATTGTCAAGCTTAATTTTTTGTCTTCTCA
ATATGTTCAAGTTCTTTTTTACCTTTTCGGAAAATACTTTGTAATATGCAAAACAAGTTCT
GTGCCAACAAATGCAGACTAAATGAGACTGTTAACACCCGCTGCATATGACATGATTAAT
GGTATTTTAGTCTATCTAGTTTGTGTTGGGTTGCAAGCTCAAGATCAAGATCATCTGTT
CCTCTGCCATGGCTGCAACATGACTGGCTAAACCCAATCTAGTTACTATATAAGCTGGG
CTTCGGTTGGGTTTAAAGGCATCAGTTACTTGGAAGTCACTACCAGCTACGGATATCCAGT
TCATCATGCGCTTCGCTCTACTTGCCGTTCTCCTCATCGGAGTGATCTTTCCTTTGTTT
>EP77690 (+) Dm RP4; range -499 to 100.

AAACGTTTCATGGTTCCAAACTATATTATGGTCTATTGTGTAGTCCCACCTTTGAAAATA
AACGAGCAGCTTGTTATATACACACTGGCGTTCAAGTGTTCTTTTAGCAGACCAGTTTTA
ATTACTAACCTATATTTGAGAGACTTCTGTGTAATAAATACTTTACATTTGACTTTATT
TGACATGACTATATAACAGTGATAAGACCTAATTGCGTGTATATAAATTCATATGAAAGT
AAAATATTGTATATTTAAGGTAGCCGATTCTCTCTATTAGAGCAATCATCGGTTTATAA
CAATATACTTTATTTATATTTCTATTTAAGCATTAAATCGCGTCACAGCTGACAAAAGCT
AATTGATACAGGGGCTGAGGAATACCCCGATAATAAGGCATCCTCGCAAAAGTAACCTT
GCGCGGTAACCGCAATCCAGTATTTAGTTATTCGACGCCAACTGCCGCTGGCCACACCG
CCCGCAAATCTGCCTTTTCTTTTCTGTTGTATTGCCCGACGGACGGTATGTGATTTT
TTGCAGCTAGCCACGTGCTAAGTTTTGTCAATGGAAGGCCCGGCATTGGGGATTTGCTGG
>EP77691 (+) Dm RPL8; range -499 to 100.

CGGCTTCGGAATATTTCCACTGGTTTCTTTTCACTCTCTATTTTATTTCTGATTGGGTCG
CCTTTTTTCACTTCTCATCCAATTGGCAAGTGCTCGACACAACTTCCAGCTCAACTCGAA
TTATTCATACATCTAATTGAATTATTATATACATATATAAAATCGATTAACCTTATATTAA
AATTATCCAGTTTAGAAACGTTTCGATTAGGTAAAGCAGATTTAGCGAAATTGACCTTG
CGAAGATTGAAATCAAACCAATTTTCTGGGCAAGTGAGCTACTGATTAGTAAAACCTTCC
GAAAACCTGAATTTGAAGATTTAATATGATAAATTTTATTATTTTATTATTATTAGC
AAATTAACAATTTTCGGAATACCCAAAATAGCAGTGAGAAACAGCTCTTCCCCAGCAGC
ACGTTAGTCACGACGCCAGACGCCAAACACAGCCACACTATTCCTGCCACCTCTAGGA
TGCTTCTCTCTTTTCTTTTCTTTTCCGCGGAGTGGTCTGATTGGGCAATTTT
AATTTTACGGTAAGCCACGTGCTAAATTTTGTAATTTGGTGGTGTTTTCAATTGCGGAA
>EP77692 (+) Dm CG8332; range -499 to 100.

AATAATTTGCAAAAAAGCATGCAAAACAAATTGATCTATTTCATAACAAATATAACAATA
TGATTTTCATAAATGAGTTATAAATAGCAGAAATTTACTTGATATTGAACCTGTAAACAAT
TTTTATTACATTTATAATTAGTAAATAACTTTTCAATGAGTATGTTCTTAGAATAAGAA
ATTTATATAATTTAAATGCCGCCAAAAGTCACTGCAATTTATAGCTGATCCCGTAGCTA
AGTTTTCACAACTAAGCAAACATCGCGAAATATTAATTCATAGTACATATTGAAGATAGA
AAAGAACATCCAAGAAGCGATAAATTGATATTAGTTTGACTTATATTTAATAAACTAAT

AAATAACCTTTGTAAATGTAGAATCCGTTTTTATGTTGTGTCGGTATGTCTAAAATATCAC
GATGGTATTTGTAGTATATTTTCACTGTTAGCCGGTATTTTGTAGCGTACGTTTGCGCGG
TCACACTGCTTTAAATCTCTTTCCGTTTTTGTGCGCAACCAAAAAAGATGGCCGATGTAA
ATATCTATACAAAAATCCAATGAAAACTCGGCATCCGTGCGGGTATCGAACAAATGCC
>EP77693 (+) Dm RPS31; range -499 to 100.

GAAACAATCGCTGGTTGGATACGGAACTACTGAGTGAATTGTTCACTTACCCAGCAAT
TTGTGATGGAACGGACGCACTGCAGCAACTTTCGGCCCCGAGGCGTGAAGATCTGAAGGC
ATTCATCGGCCACGACGGTCTTGCCGCGAGTGCGGCAGAACTCCTTCATTTTATGCAATT
GATTTGCCAATTATTTAAATTTATTTGTTTGACATGCGTAGGAGTGTGACCGTTGCTCAG
AATGACAAAATACACTTTGAATGCGCAACGGGCACCTTTATCCAAAAATGTTTCGATAGT
CAAAACAATTGTTTAATTCCATGTTTCAAAATGTGAGAAAGTCTAATTTTCCCAAGAAATG
CAGATTATTCATATTCAATATCTACGAAATCCGTTATGAATAGTGTGGTATTTTATA
CACTCCACCACCAACTATCGATAGGCAGGCGAGCAACCCGTGCGATGGATGGTAACTCTG
GCCGTTTCCGCCCTCCATCTTTCTGCATTGACTTTTCACGATGGTGAGTTCGCTGCTACT
AAATTCTGCGAAAAATAAGTTTTTCACTGTGAAAGTGGCCCGCAAATGGAGGCAAAATA
>EP77694 (+) Dm CG11522; range -499 to 100.

TTAAATCATTATACACATTACAACAAATAAATGGAAAAAAGTATTATTAATGGTAAATG
AAAAGGCGTGTCTTCAATTTATTTTATCTTTAAGCTGACATATTTTCGATTATTTATCTT
TCTGACTGTTTAATTTTTTAAATTGGTCATTCAATAAATCGACCGTTAAGCTTATCGATT
TTTATTGCAATAGATTTAAAACGTTGCGATACTTTTTATATTGCGACTGTGTGATTTTT
TTTATCGATAGCAGACCCGATTACACAAATAATGCTATAAACATGAGTTCTAATGTTAAT
TAAATCCACTGTTATAGGAACTGAACTATATTTGTAACCTTCAGCTCTTGAGTAGAAA
TAATCAATGCTGGGAAATATGTTTTAATTTGGGGTATATAGATGGTATGTTTACAAAC
TGAATTGGTATTTCTTCGTAACCGGGTGGTATTTTGTATCGACCGCCCTGGTCACACC
GCTCTAGACATAACCTTCCTTTTCCAATAATTTTTGTGCTGTGTACACGTGTTTCACAAAT
GGCACCCATCGAGAAAGCTAAAAAGGTGGCCAAGTCGGCCAAAAAGGGCAAGAAGCACCC
>EP77695 (+) Dm CG5651; range -499 to 100.

GGGGCACTTACTCTCCACCGTGAAGATCTTGGAGGGCTCTGCCACCGGAGCAGTCTCCGT
CTTTTCTGAACGTCCCGAGTATTTGGATTATCTTCTTGACGACCATTTTCTTAGCAGT
CGACACAAATCAACGACGTGTAAAAATTAGTGATTGCAATTCGAATGGGATTGTCAAAAA
CACTAAATAATCGATATTATTAAGAGCGGCTCTTGTCGATATATATTTATATTTATTTA
TAGGATATATTATCAGTTCGGAATTTACATGTTCTTATATTGAGAGATAGAAGTTATAAA
TTTTATTGATTGTCACTAAGCTTTACTTTAAATAAAATCCCTGAAACATTATAAACTTA
TGTTATGTAAAAATAACTGCACAAACAAATAAATAATTATAAACATGCTATACGAAATTC
AAGCCCACTTATTGATATCGATAGTTTCAACGGCGCATCCCTATTTCGTAGTAGTGTGAG
AAACTCATCAAAGCTCCCCCTTTTGAACCTTGTTGGCTGACACGCAAGAGCGTGCGTTC
TGTCTGTTTTACAACAATTTCCGCCAAGTTCGCAGGTAAATTTCAAATATTTCAGCACTC
>EP77696 (+) Dm MLC2; range -499 to 100.

CGAGTAGTGAAGCAGAGCAAAATAAAAGAAAAACAAACAGAATCCGAGGATGGGGAAATG
TATCCACAACAGAGAGCCGCTATATGAACCAATCCGAATCGCCCCGAAATAAATTCGAA
CATATGTATAGGCTTCTGCTGCCAAAAGCCAAAGCCAAAGCAATTTCTCTGCCTTTAAA
ATTAGATTTTTGATTAGAGCAGCGCCCGATGGATGAGTAAACACCTCGGATACAGCTACA
CCATAGGCTATAGGCTATAGCCATGGCTATATCTATATAGTTGTAGCTGCCCCGCCCCGC
CGATCTCCTGGGCGGACCTCGCCTTGACAGATACTAAAAAGGCAGCACGAATATTGCAGA
TACGGATACAGCAATGGCGCCCGAAGATCCCCGAAGGTGGCCGAACCTCCACGAGCGGC
CCCAATGCTTGGAAGAAGAAGAGCTCCTCCGAGCTCTTAAACATCATTGTCTTGCGGAT
AAAATCAGCCAGAGATTGAGTGTCTGACGGCTCGACTCGATTAGACAACACATCAAA
GTTTCAGCACCATGGTAAGGACTCGTCCCGGAATATCACTACAATCCAATGAACCGAACT
>EP77697 (+) Dm DF31; range -499 to 100.

GATGTAATTTAATAAAAAGCTTGAATTTTTTAAAAATGACGATATGTGTATATATATA
TATGAACATACATGTTTGTGTGTTTGTATTTAATTTTTAGGAGTACCGGATCAAAAAA
AAAACCTAGAAATTGGGAAGGTGATTACACGAAAAATCACTCAGGTCAATGAGAAAAACA
AGGATAGGAATGCATTTGAATATTTTACCTGCTATATTTGTGTAGCCGCTAAATAATAGT
TAAAGGTGGCAGCCCTTTTTAGGGGACCGTTATTTTGAATATTTGTCACTGCTATATT
TCATCTCTTTAATATATTAATAAATAAATTTGAAAAATCTATCAGCATAAGCTAACTCCGA
ATTAAATAGAGAACGGGTGATAACGATAACAAACAAAGATATGTTTTCCGGAGGCGGAAC
TATCGCAAGCGGACTACCGACGTCTACCAACACTACAGGGCGGCGCTTTAAAGCCGGTC
CGACGCTCACCGCTCTCTCATTTCGGCGTTTTTCTTTGTGACTGTGTGGACGTTCTTAATT
GTACGGCAAAATCTCCAGCAACCAAGCTACTTTCTTAGCAAAGCTACTAAAGAGGAACT
>EP77699 (+) Dm EIF3-S9; range -499 to 100.

TTGGCTTATCGGCAACAAATCGATTGATGCCTAATTTAAAAAATCGGTTGAACATGCTT
CAAAACTTCCATCGCTAGAGTTGCAAGCGGAAAAATGTATGTATTATTAAGAACGATT
AACTAGTTGTTATAGGTTTACTTTGCTTAATACATATTGACTAATATTAATAATTGT
ATGTACATGAAATACAAATGATAATTTAGCCGTTTTAACACATTATCACCAGATAAG
CACCTAAGATTCTGTTGTTAAGGATCCATAAGAGAAGGATCCAGATATTATTGTCATTGC

TGTC AAGCAAACATATGCAGTATAAATACAAATAAATCTAAGAAACAGTAAATTTAAATA
TATGCATGTACATATGTATTTATAAATATTAATAAAAGTTACCCCGCCGCTTATCAACG
CAGTGAGTAGTTGGCAACACTAACCATTCACACAAAACAGTGTTTCGCCTTGACTGGCAA
ATGCGGCATCTCGCTCTTCTTTTTCACCTTGTGCTTGTGTGTTAATGACGAAAAATTG
CAAATAGATCGTGAATATGGCCAAGAAGAAAAGCGAGGAGCACTCCGGTACGGATGCGA
>EP77700 (+) Dm MMP-P1; range -499 to 100.

ACTCCACCGGGCCAATTACGACTGCAATCGAGCAAAGGATTCAGTTTGTAACTACTTAGA
CTTTATAGTATGGTCGAAAAATGTAGTAAACCTATATAATAAAATATACATATGTATGGT
TTCATTTTGAATAAAAAAACTTAGGCGCGAACTATCGCTTTCGCGCATTAACATCTCT
AGCATAACGTATAAAGCTTGCTGCGATAGTTATTCATTATTATATAATTGGATTATTAAT
AGTTGCGTTGGATTTGCATATTTGCTGTTAATACATTAATATATTAATTGTTTTCTTT
CTATGGAAACCAGAAAACCTATTATTCGCGGAAAGCTCAATTTATTATAAAATATTACTTG
AATGCGAGTCCCCCATATGGCTGCCGATAATATTCGATTGCCCGACGCAAGCAATCGATA
AGCGCCGGCTATTTTCGATGGCCAACGAATGGTCACACCGATACACATTAAGGTTAGGAA
GTTGCGACCGCTGTGCGCACATTTGGAAGCGAGTAACTGTGGTGAAGTGGGCTTGTG
TTTCACATCAAAATAGAATCGGAAGCGTTGCTTAAGTGTCTTGTCAATAATTCGAGTAC
>EP77701 (+) Dm GS2; range -499 to 100.

TATTTTTTCCGTGCTACCGGAAGCGTCAGCCAGAAATCCAATTGGGAGAGCAGCTCTCA
GCCTTTCTCGCTCTCGCTCTCGCTCCGCTAAACTCAGCGGCGACAACTGCAAAGCGTC
TAATCAGACAGTGGGTGGCAGTGGGAGGCGGGCGGTGGGCGGTGCGGGCGAGCGAGACAG
CAAGGTGGATGAGTGGTAGAGAGGGGGGGCGTTGATCGTGCGGCGACTGCGCTGCGACAA
CAGCTGTTGCTTTTGTTCATGGCGTGCTGCCGCTTTCGCTGCCGCGCTGCGAGTCG
CAGCTAGTTTGTGTAACATAGTATACTGTATGTATGGTACATTATATATATACCGCAA
CAACAACAGCTACAGTGACAACAATAATAACAACAACAACAACAGGGGGACGAC
GCGGGCGCTTGTCTTTGTTTGTCTTGTGTTTATTGTTGGTCATTATAAATTGAGTTG
GAACAAGGGGCTCCAGCTTAGTCGTGTTCCAGTAACGCTTCCGCGCACACCAATCCAAT
TCAGTACCAAAATCGGAATCAGCGCCAGGACACAGCACAGCCGTCGTCGCCCATCAA
>EP77702 (+) Dm CG9354; range -499 to 100.

ATTTTGGTGACGGCGTTTTGGACATTGGCCACTTTGTCCTTGGAACCTTGAGCTGCAGC
AGCGCCAAACGCATGACTATTAAATAAGAAATATTTAAGTGGATCTCTTTGAAATTTGA
GAAACACTTACTGTTGCTAGTTTTGCTCATATTGCTGCAATTAATGTTATCTTTTCGCG
GTTTGATAACAGATTTTCATCGCAAGCAAAACAACAACAGTTATCGCAGGGGCGTAGTAA
AAGGGATCAATATTTATAAAACGCATTATTTAACCTCATATTAATACGCATATACTAGC
CAAAGCATACTTAACCAAAAGAAATATAGCATTAATTTGTGTATAAAATCCTAACTTTCT
AACAAAAAATAAATAATTTGCAACCCCCATAAGCCCATGTTTTCATGGCAATCTGGCAAG
GTCTGCAGTGCTCGAAAGTGTGCTACAGTGGGCAGCGCAGCCAAGTTCACGTGTCGCGG
AACAGGGTTGCCACCTTTCTTTCTAGTTTTCGTCTCTTTGAGGTATGCACGTGTTCAATTA
ACAATTTACGCAAATTCGCCGAAATGTGTGAAAAAATTGTGAAAATATACCACCAAATG
>EP77703 (+) Dm CRC; range -499 to 100.

AAACATTGTTGTGCTTAAGTAATTAGGAAAAATTATGTAATGGATATTTTCCCTTTAT
GTTCACTATATTGTTTAAGTTAGAGAATAGAATACCCAGAATAAAATTAGTGATCACACA
TCAAAAAACTATCGATAAACATTGAATTAGTTCCGGTTAAAAATTAATAATAAGTATTCA
AACTGCACACCTTGTTACAAAGTAGTGTAAGTGCCTAATCTTTATCAGCAGACTAGAGG
ATTTTCGACTCCCATGTTCTTTTGTCTAAATACCTTTCTCGGGCTTATATTAGACATTAT
ACTTTTCAGAGAAATTTTTTCATTTGACTGTTAGAAAGTTCTTAATGAAATTGCTGTTTCA
TTCAAAATTTTTATATAGTCATTTAATAATACTTTACGAATGATTTTGTGCGCTTTAGAT
TTGTGAGAAAAAGGGGTGGGATTATTTAGTAGAAAGTAGCAAGGCATTTCCCGATCTGGT
AACACTGATTCCAACACTCATTACCGTTCCAAATGAAACGCAAAAAGGTTCAATTGTTAT
TTTCTCTCACGATTTTCGGCATTTATATTAACCTAAAGATGGCTCTATAGTTTGCAGCGCAA
>EP77704 (+) Dm CG15697; range -499 to 100.

CTAACCTCTCATATATGCCAAGTTATGAAACTTATCAGTGTACAGTTTTGATTGTTTACG
GGTAAAGTTAGCACTTCTTGAATATTATTATTTTTTAAATAAGTATTTAAATTTACGAA
CGCAGTATATTCCTAACTAATTAAGTTATTATTTGCTTTGGGTTATCTTTGAAAATC
ATAAATTTAAAGAAAAACATTAATAATAGTGTTATCTGTCTGAAGTAAAGTATATTAAT
ATTATTAATACATAAGTACATCGATTTTTAAAGCTAACAAAGCCGTTATAAAATACTAAA
GTTTCGAGAATATACCAACCTTTGAACAGAATTCTGACTGGTTACCTTTAAGTTATCG
ATAGAAGCAATCGATTGACAGCCTAGCTACCCGTCCCTCAATATTATGCCAGACATGC
AAATGCAATTCACTAACGCCGTGACACGATAGTTGCACAACAAAAATCGATAGGCCCATCG
ATAATTCTGCGCCATCTTTCTTTTTCGGGATCCGACACCAAGTTAAGAGGTAATCGAGT
GATTTTTGTGCAAAATATAATAGAAAATAGCCAGTTAAACCCAAAATACCTGTGAAATGT
>EP77705 (+) Dm Retinin; range -499 to 100.

CAGCACAAGCCTGATATCTATGAAATTGCCGAGGTTATCAAGGAGGAACTAGCACAAAGCC
GAAAAAGAAAAGGGCAAGAAACCACAACAACCACTGTTTTAGATGCCCTTTAATCAAGC
AATTGCAAATAACGCGGAAAAATAATTTATACATTTTATAACAAATAATTTCTTTCTCG
TTTTTACTGTTCCACATTGAGATATAGACGGTCACACTGCCATGCGCAATTTCGAGATGGC

ATAGTCGTTGTTCTATGTTTGGATATTAATAAATGAATTGTGTGAAAAATTTAAGGAACTAT
TTTTTGTTTTAAGATATTGCCCTGAAATGTTACAATATATTTATTAAATCCAATAAAAAA
AATTTACAATACATTTAAGCGCTTTTACAAATCATCGTTGCTCTAAATTAAGTGAATTTG
TAATCGATAGCCCGATACGTGCTGCTCCATCCCTCATTACCCCACTCTTCTAGAAAAAC
ACGTCAGCTTTTACAGCCATTTCGAAAAAGAACACGTGAGCAGAAAGGAAAACTGGTCGG
TCGATATTGCAAAGGTGGATGAGAAAAATTGCGTGAGACGGAGCCAGAAAAAGCCGAGTCG
>EP77706 (+) Dm CG3731; range -499 to 100.

AGATGCAAGTGGGCGCCAGCAGCAGAGGATCGATGTTCTTCAGGGAGTTCCTCGCATAGA
ATCTCTTGAAGTAAACCGTCGCCGTGGCGATGACCTGTTGCCTCAGCTTTAGCTGCTCGC
CGAGCACCTGGATCACATTTGCGAAGAAAAATAAACACCTTTTGGTATTCATCCTCGTTAA
GGGCCAACAAATCGTGCTGACGCTCCCGGAGCAGATCGGGTTTGTCCAAAATCCACTGCT
GCGAGTGCAGAACTCTGCCAAAAATTGCCCGCCATTTCTGTAAGTGTAGGCCTAGCTGATT
AGGTGCGGCAATATTTTCGTGTTAGCTATCCAAATAGGTGTTTATTTCAATAGCAAGCC
GGAAAAACCAGGAAAAACGAAAAAATTGTGTTGCCGTTTCAGCCAGTGTGTGCACACCAGG
GCTATTTTCCACGAACAGCTGACTGGCCGAGCCAACTTTGCGCAGCGCAGTACATTGGT
GTGTGTGTGTAATTTTTCATCAGCGCCGCGGCCACAGACGAAAAAGTCTTAAATATTTT
TtagTAATAGGCTATTGAACGAATTAATAAAACGATGGCGTTGCGAGTCTTGGCGTGAC
>EP77707 (+) Dm ATPSYN-BETA; range -499 to 100.

TAAAAATCAAATCCCGTTGCTGTTTCTATAGTATTTTGTAAAAGTATTTAATGCATAT
TGTTTTGCGAGCTAAATCTGATTACTTTAGGCACAATTTATCTAGCAAATTGTAATATTTT
TAAAAATAAAAACTTGTAAGTTATGACGAGGTATATCTTTTTCCGTTTTAGTCTTAAGC
ATTGTAATGCTATACAATTTGGCTGTTTAATTTTAAATTTATTCTACTAAAGCTTTT
TATATTCCAACCTCGAATTTTAAATATGTAAACAGTTTTCGTAATGGTTTAATACTGCC
AAACACTCGATTAAATATAAAATTAATATCATAAAAAATAAGTTTAAAAGAAGTTGAAAT
ACAAATAAAAGTTATAAACATACAATTTTAAATAAACATATTTTATTTTAAAAGTTCAA
ATATAGGGCTCACTTTGCCAGTGTTGTAAAACCGGGCTGACAAGCGGTTGATCTGGCAAC
GCTCTCTTAACCTGTCACTATTGTGAAGTACAATTTCCGGTGAATTTAGTAGCATAAAT
TCGTGCAACTGCCTGGAAAAATGTTCTCGAGAGCCGCTCTTCTAACAGGTAAATCTGCAA
>EP77708 (+) Dm CG8029; range -499 to 100.

GCAGTAAATCATAACAAACATTGTTTTCTGCGGGACAGTGTGGCCGTGCTAGAACTGC
GTAAATTTACTAACTGGAAAGACTGAAATAAAAACTCGTTCAAATCGAGCTTATAAAAG
CAATCAGTATAAAACCCGAATTTCTTTAGATATTTAATTAAGTATTTAGTAAGCAGTGCG
AAATAGAACATACGGGTTTTAAAGATCAACATGTGGAATTAACGGAACCGGTTCCGTTG
ACAGTTTTCCAGCTGGAAAGGTGTGTGACTGCGCTAATTGGACACCGAAGATATGAACCTT
ATTTGACAACTATACTTTCTTATAAGTATTAATTTTAAAAGAAACCCAGTTAATGTCA
GTTCTGTTGCAAAATATCCAATTAGGCTTTACTAAATGCTCTCAGAGTGAATAATTTT
TTCTAGTATTTTCTAATCTCACGCTTTTGGTATTTTGTAGACAGCACTGCGGTGAGCTGG
TGCGCATCACATGACCGTCATAAGGTTTTTTTCTCACTGGAATAGGCGACGTCGAGCAA
GGCAAAGCGAAAATTTTACCACCATTTTTCTGTTGTAGTTTCAGTTCACTTTTCCGTTG
>EP77709 (+) Dm EG 171D11; range -499 to 100.

AATTGATTAACCATAGAGTATGCATTTGGGTACTACAATACTACACTGCCGTCAACATAG
CTAACATTCCCTTCCAGCAGGGAATTGACAAGAACGCAACACCGCAAAGCAAGCACTAC
ACTCACACACATACTCACAAACGAGCCCCAAAAAACAGCAACAGCAACAATTGCGAAA
ACAGAGCAACACAAAAACAACAGCTGTGCCCCCGTTCTAACGGTGTGTGCGGTAGCAA
GTTACATACATATGTGCGTGTACACGTGTGTGTGAGCATCAAATATAACCACTTGCTAA
TGTAAGCACTTTTTGACGTGGTCTTCGCCTTCGCTTATCAACAATCGCCACAC
CATGCCAATACCACACCACACCACCATACATTACCTCAAACCTATACAGATATATGTACA
TATATATTTCCATTATGTATATGTGTAGAGAACAGTGGAGAATAACTGGCATCAGAAAT
GGGCGGCTGCGCTGCGTTCACTTTTCACTGTAGCCACCGTTTCGGAGAGCACGCGATCCGAT
CCCCGCACCAAAATTTCTATCTCCGTATCCCCAAGATGTCCCTAGTGCGATTGATCGGAGC
>EP77710 (+) Dm IM2; range -499 to 100.

GCACGTGACAGCTTTGTATTCAAAATGTTATAAGCCGGTTTCAATTTCACTGAGCACAAC
ACATTTCTATATTGAAATATATGCAAACTTTGCAGGTGCATGTGCTTCAAATCGAGGTA
AAAAACAACAACAACTTTGTTTGTAAACAAAAACAAAAACAAATTATTCAGTTCTTATA
AAGAAAGACAAATGATTGAAAGCTATATTGAACTGCAACTATTTTGAATACTTCTAAGAA
CTCCAATGGTTTTCTCTGAACATTAAGCAATCTTAGCTTCTACCTGTTGGTTACATA
ACACGCCCATAAACACGGGACTGGAATTTCCAGATTTAAATACGCAAAACAAATGCTATT
GAACGCTCAACTTTCTGTGTTTTCCCAAGCGCTTTGATTTCGATGGGGTTATCAGTGGC
CTCCGTCCAACCAATGCACATTTGCTGCTCCAAGATTCCAGGCTGAGCTATATAAGATCC
AATCGAAGTACCAAGAGCATCAGTTGAATTCAATCGATTGCTTGTGCATTTAGCAAATC
AAAGCCACAACAACCAACAGAAATCAATATGAAGTTCTTCTCAGTCGTACCGTCTTTG
>EP77711 (+) Dm CG8580; range -499 to 100.

AAATTAATATTTTTAAGACAACCTAAATTTTATTATGCTCCCATGTAAGGTTTTCATTT
TTTAAAGTTCTTCGATTAATAATCGTAATAATAAAATAATAATTTATAAAAAGCATAAG
ATAGGCTTTTTAAGGTTTTTTAAAAGATAGAAGAAAAGGATTCTTATTATAGAACAAAT

ATTTTAAATTTGGCGTCGATGAGTTAGCGGCTTCAAGGAACGGTGGAATTTAGAACATGA
GGGTGTTTTTTTATTTATTAATTTTTTGTACTTGAGTTGAATTCATAAAAAATAAAAA
GCAATAATGCTAACTTTCTACAAACGACTTAAGGTTATAGGACTCAAGAAAGTACATAGA
ATATGCAATTGAAAAATGTTCTCCCGAGACTTTTCGGTTATTTGAAGTTTTTGTATATT
TGGTAGAACCATAAAGTATTTTTTGGTATAGATCCGTTAGCAGGGCAACCAATATTAGCG
GTCGCCATGCGGTCACTCTGTTACGTCCTCGTCACGCAAGCATCGTCGTCCATTTTTGCT
AAGAAGCGAGACGAAAATTTGTAATTATATCTAGCGAGTCGCCGAGGACGAACAATAT
>EP77712 (+) Dm CG10233; range -499 to 100.

TTCTTCAACCGTCACGATAAGGAGTCGTTGAGTTTCAAAGCTTCGCCTATATAGTATAAT
CATTTTCAGACATCTGTAATCTCACGAAAAAGTCTGCATCCACATATTCGCTTTAATTGA
AAATAACAATAAATTTGTACAAGAATTAACCTGGTTGGGTTTATTATTGAATCCATGAC
AGCTCTGGCCGAGCAACAGTTGGTCAAGATTGATGGTTGGTTGGATCAAGAAAAATGTT
GAATTTATGTGAGATGTATTCAAATTATTCGATTAAATGGTTTGATTAAATATGGGTGC
CAGAGTATTATTGGCTGTTAAGAAATATTTATAACTGCTTCAATTACTGGAACATTTGAC
CCAGTGATTTTGATGATTGATTTTCAAACACTTTGTCAAGTGTGTAGAAGTGCAATATGTT
AATTAGATTTAGACCAGGGCCGTCGCACCGTGGGAAGCCATAGAAAATGAGTGTCTCTGG
TGCAGAACCCAGCCAGCTCAGTAGCAGCTTGAAGCGCATCGCGGGCGGTAGCGGAGCAATG
GCCATGGACGACTACGATGATGACAGTAAAGTGAACACAGACAAAAGGATGCAGATACAAA
>EP77713 (+) Dm ND75; range -499 to 100.

ATATTTAACAACAAATCATTTAAAGTCAAGAACAAAAATAAAATATTTACAATACAGTTC
TGAACCTAAATAAAATAAGTGAAGTATATTTAATTTGAAGTAATAAGTTTTAAAAATTCG
TTTAATTTTGAGAGCGCAATAAATTAGTTGAGTGGCTCCATCTGTGATTTGAGATTTGA
AGCTTGATACTGAGTTCGCTCACAAGTGAATGGCCAAACAAATTGAACAGCTGTTCACTA
GCGTTGCCAACTACAGTAACACTTGAAGTGAAGGTGGTAATCGAAGCAGGTAACAATAT
CAAATATATACTTTTTGAATAGAAAATAATTTCCGAGATTTATAAATTGGTGTGCGACA
TAAATTTATATTTAAGGAATAAATTTAAAAACCGATAAACTATTGCGATTGACCAGCTGT
CAACGCGGCAGTTGGCAACGCGGTGCGTCTGTCAAAGCAAAATCCGATAAAAAAAAAGTT
GTCTCCACATTAAGATCACAGGAATATTTTCCAGCATTTCCGGTAGGTCTTCGCCCACT
TTTGGCATCTCCAGGATCCCCATTAGGTGGCAATGGCGGTGCAGTGGAGGAGCTGAC
>EP77714 (+) Dm BCDNA GH07921; range -499 to 100.

GCGATTTTTTTTATTGGCAACAGTATTAGCTAACCATTTGAACATTTTACTGCTCTGATTT
CAGGTTTCCTTATCGCACAAATCCAGTATAAAACAATTTAAATTTCTGCTATGTAATA
AAGAACTGAGCTGTATTTTTCAGCTTTTATTAGCGATGTCACCGTTTATCAGTGATGGT
ACTGCATCAAACGATATTTTCTAGCTTTTCTAGTCGAGTTCAAACCCCAATGGTAGGGGC
TTGCAATAAATGATACAAATTCGATTTTCAATTAAGAAATGTTGTTTAAGAAATTAATTT
AAATTTACATAGTTTTTCGAGAATATTTGAAGAAAGCAAAGAAATTTTCTTTTATTTCTGT
ATTATGTTATTATGTTATTAATAATGTTATTTTCTAGCTAAATAGCATTGCCACATTGTTGA
CAATCGATATAGCCAAGTCTTAACAATCGATTTTAAGCACTGATTCCACAGAGCACGGTC
ACACTTCACTTTGTTCGCCATTGCTAGACAAAAAATTGTTTCGAGCGAAAAAAGTAGCTG
ATAGAAAAGGTGAAAATCAGAAGTTAAACGTTTCAAGTAAACTGAAAAACAGACAGAAAA
>EP77715 (+) Dm UNC-119_1; range -499 to 100.

AAGCAAGCGGCAAGTCTGCTGCATGGATTAACATAATTGTCGGCCACAAAAATGCATGGG
AAGGCGATCGCAACACGCCATTTAACACATTTGCACGCTTCCAAAGTGTTTCCTTTTCGA
ATTTGCTTTGTATATAGTGGTTTACTCTGGCGAGTGACGGGGGTATATGCATTTTATTTT
TTAGTTTGGGTTTTCAATTTAAGCTTAAGATGTGAAAATCTATACTTATACTTGTCTATA
CTCATTATTTCCGATTAAGCTTTCTGCAACGTTTCGCTTACTTTTCGGTTATACAATAAAT
AATGTTAAAAATCTGAATAGCCTTTTTTCTAGATGTAAAATGTAGAATATTTTGAATATT
GCGCCAACAGTGTGACCCCTGCTAGAACGCGAGAAATGTTTTTTGCGAGTATGTGGCAAC
GTTGGTCTGAAGTTTTTCCCATGCGCAACGGTCTCACCGATTTCTGTAATGCATCAT
CGATAATCTATCGATTGCTGAGTGTGACGAAAAAAGTGGGCAAAAAAGGTGCAATGTTTA
GCGTTTAAGTGCCTTAAGTTGCTTTTTCGCGACGACAACAACACCAGCAGCATTGCCG
>EP77716 (+) Dm UNC-119_2; range -499 to 100.

CCAGCTGACCGGTGTTTTATTTTTCGACAACATGTAGTTTGGCAATTGTCAAGGGCGTAG
ATGAAAAAATAAATATACAAATTTAAGTCATGAATATAAATATACAATATTTTTTGTAT
GTCGTTGAAAATGGTTTGGTTATAAATAGATTAGAAACACGTTTTTCTTATAAATTTATC
TTTGACAATTAACCGTTATCATACTCTGTAATTTTTTGCATACACCTAAGCCATTTTATC
ATAAATAAGCACATAAAATATGTGCAAGTATTTACCAAATATTAATGGGGCTCTTAACCC
CTTACGACCCCTTCCAAACGATGGCTCTGTTGACAAAGTGGCAACACTGGCGCGCAATA
TCTCGATGCTAGCCATGGCATGAACATTTTGGATATTTACTTAGTCATGTCTGTGCGTC
AGCCACATAAGCTAAGATAACATCACCGACTAGGCACGCACGCTTTTCGCCGTATTTCCG
GGCAGGCCATGCACAGTCACACTGGCAGCTGCCATATTTTAGGCAACGTTTTCTGTCTC
GGAAACAGTTTTTTCATTAACACAAAAAAGGCATCCAGAGCATTGTGTAGCACAAAA
>EP77717 (+) Dm ATPK; range -499 to 100.

AGCAGCCCCCTTCCGCCCTCTCCAGTTAAGGGAGCGTTTCTTGCGCGTGCCCTTCTTC
TTGCCACCCGCGCTTCTTCTCGCCAGCATCCTCGGCCGATCCTCCGCGTTCTCCGCC

CCCTCGTCCGCGGTGGCGCTGCTTGACTTCTGCGGCTTCAGCTCCACCTTCTCGTCCTCG
TCGTGCTCCTCCGGCGGAGAGAGGCTCCCTTGGTCAGCAACTCTCCAGTTTCATTGTT
TTTGTTTACACACTGGATTGCTTTGGCTGGATTCTGATTGCAATGCCAGGCTTGCAAA
AATCCTATTTGATTTCTGTATATACTGGAGCTTAGTGATGTGAGAAGTGCATCGTGCATC
GGGCATCGATATATTGCTGTATCGATGACGTAGCGAATACATCCTCCCTGTTAGCGGAG
ACGCACACAATAAATTCGCACATAGTATATTTCCGTATATTGGTCGATGAAAATCCCAGC
TCTCGCCGCTTTGGTCATACTGTCAGTATCGAAGGAAGTAAGTAGCAGGCGTAATTTTAT
GTTTCATAAGAATCCGATTTAAGAATATATCTCAACCAAACAGCGCGATGGCATTCCGGT
>EP77718 (+) Dm CPTI_1; range -499 to 100.

AAATGAAAAAGTTTCATTTAAACAAGCAAATATATTACATTTCATTAACAGAGTATCATT
TTATTTTACTATTTAAATCAGGAATGCTCGTAGGAATCAAATGTAGCAGGATATATGTAT
GTAATCCTGTGTTAAAAATCTGAAATGTGTTTTTGTGTTTTTTTTCAGAACACATTTCTTTA
CATCTTAATAGGCACCATCTTATTTTAATGATCAGTTTACACAGAAGCGAAATAGTGCTT
TGAACCATAACAAAAAACATAAGTTTGTGCAACTTAAAGGTAATTAATGAGTGTGCG
CGTTTTGATTAAATCATAACTAAGTATACATAGAGACAAGTGCAGAAGTTTGATGGCTTA
ACCCTTTTGAACCTTGTTTAGCCACCACCCTGGGCCGAGTTGTTGTTGTTGCCCGAT
CATATGGTGGATTGTTGCTCTCTTTGGCCGCTGCTCCGTTTCGCTTTGCTTCT
GCTTCTCAGGCGCAGTTTTCAGTCTCTCTTTTGCCACCGCAACGTTTACAACGTTAACATT
GCGCGCGCTCTTTGCATTTTCTGTTTGTGCTTCGTGCTCGTCCGTGCTCCTTCCCGTGT
>EP77719 (+) Dm CPTI_2; range -499 to 100.

ATCTTTTGAATCTTGATAAGCCGACTGATAGGCGACCTAGATTCTTAGAAATTTGTCTAG
CCACGTCGAAAAAGTTGAATTTTAAAAACGCATTATCGAGGCTAACTGCGCATACCCCT
CAAACGATGAGTACACCCATCTTATATACACACTGTAGGTGTTTATTGGACCAATCAC
ATATCCATTTTCCGACACAAGATAAGGCCCAATCGATCTGAAGAGAGCGAATTCCCGGAATA
TCGCCGGTCAATACACTCCACACGGGCACACACCCCCACCACACACTCCACTTTTCGAC
GAGCCTCTCGACTGGTGACGATCCATACCAATACCATACTATACCATACTATATCATAC
AATACCAAACCTTACCATACATGTACCATACCAAAAGCACAATCGACTGTGGGCTATAC
TCGTAGTATCTCCGTCTCGGCGCTCCGCTCCGAGTGCTTTAAGACCCCTAGCGAACCCGT
TGTGCTCACAGTCGATTCACTCAACGCTCGGCGTCCAACCGATCAAGTCGCTTTATAAGA
AGGGGGATCCGAAGCATCCCCAGTGGAATTTCTCGTGTGTGCATCTGGCCTAGGATTT
>EP77720 (+) Dm CG16885; range -499 to 100.

TTTGAATGTACAATTAAGAGCGATTCTCCAAAAGAATTGATTGGATCTCTTTGGTAGAT
TAAGGCAAAATTAACAGAAATTAACCAATTTGCTATGTTTGTATGTTGGCTATTGGCAAG
AAACGATTCTTTCTACTAAACTGTGCCCCAGTTACTTGGTGTCTGAATACTTTTCAGTAG
TTCCCAAAGATCGCTACAGTTGGAGCTCGAGTGTTTACAGATACGCACTCATACAGGCGC
AGATCACACGGACAACATGGACACTGTCCGTGTGAGGCACCCTCTTTCGAAAAAGCTCGC
TTGCTGACGATTTCTTTTGGGCCACGGGCTCACACGGACAGTTGGCCAAGAGAGAGAGG
AGCTGTGCAACGGATGGAGAGCGAGCTTTTCAACACGGCTGCTGCGATCTCGATTACG
TCGACTGCGCAGCCGCGGCTGAAGACAATCCCGCCACAGCATCGGCCATATAAAAGCTCG
CTGCGTCTGTGCGAAATTATTCAGTTAACTGTTGCGGGTTGGTTGAGACATACAAGCCCA
TCTTGATCGCAAAGTGTTGAGGAGCTAACCTAGTGCAAAATGAAATCCATGGTATGTTG
>EP77721 (+) Dm CG6838; range -499 to 100.

AATTGGTGTTAATATATTCGATAAAGTGAAGACACTCGATAGCTTGCTCTCAAAATTGCTA
AACCATTGAAGCTAGTTGATATACGTTGTCCGATTTTTTAAAAATCATTTTAAACGGCAT
TCTTACCCAAATAAGAATGGTCACCTGAATGAGTTACCTGTGCAATTTTTTGTGTTATTA
GATTTAAGAAACAATAATATTAGTCCTTGCGAAGTACCAATACAAATTTTTTGTCTTCA
CTTTTTCTGTTCTGTTATTAACAAACAGACAGAATTGTAAGCAACCAACTATTAATTTTT
ATTTTTATTTCTTAATTTAGTTGTAAAAACGTTTCTGTAAAATGCGAAAAATTAATCGGAT
AACATTCGCCGATTATAATCGAATTTCCCTAATGAAATGTAGCTATTTAATCCAAGGTAA
AACGTGGCATCTCCGAGAACCTGTGCGCTGTCCAGCACTAGTGCGCATTAACAGCACTGAG
CGAACTAACAGCACGAGTGTTTCTGTTCCGTGAGTACGACGAAAGGAAAAACAGTCCAC
GTACGTTCTGAAAAGTCGAGCAATTTGGCAAGGTTTGTGTTTGGTATCTAGGGCTTCCCT
>EP77722 (+) Dm CG2943; range -499 to 100.

GCACGGCTTGTGTGATGTTTGTGTTGTGCTATGTATGGCTTACCTTCGGCACGCGCATGA
TAAACTGGCTCTCCAGCTCTACGCCATCATCCGGGCCCTGTGCTCCGCTTGCTTAACCT
TGTCGCTCTTCTTTTCAAACATTTCAATGCGATTTTTCCAGAAAAATACAACCTCTTTTG
AAGACACTAAATGCTCATTAGAGATGGGAGTTAGATGGGGCACCGCTAGTGATGGCATT
ACGTACAGTTATCGCTGCGAGCACGACGAATATTTAAATGGTTCACTGCGAGCCGCA
TCTGCAGAAATATAAGCCCTGTATACCGCAAAATGGCAAGGCATTTTATTTTTTAATCTT
TTTACCAACAAATTTAATCATAAAGGTGAAGACCGAATGGGTTTGCCGTACGTTGAAAGG
GGATGAGCCGCACTGCTTTGAATATCGGATGTGAGTCCGCTGAAGTATCGATAAGGCAAT
CGTCAGCCAACCCTGCTCCATTTCTGCTTCTCATCCCTTTGCCATGACGGAACACG
AATTGATGTGGATTTCTACTAATTTATAACATAAAAAATACGTCAAAAGTTGAACAATCAG
>EP77723 (+) Dm CG4094_1; range -499 to 100.

AACAGTGGGGCAGGTTGCACTGTTGCCAGCGCAGCCCCGATTACACTTACTGCTGCGGA

TCGCCTGGCGAGCCACGACGGGATTGGCGGCGCACAGCTTTTGGGCCAAGCACACGGTTT
TCACAAACGCCGACATTGCAGGCTTGTTCCTACTAAAAAAGTTCTCTGAAGTTACGA
TTCCCGAAAAAAGCAGCTGTTGCGCTGCGGATGGCACACAAACGATAGGATACAGTGCCGC
AACGGTCTGCTATCGATAGTTGTAGTTTCAAAAAAACAATAAGAACTATCAACAGATTT
TAAATTTGTTAGCTATGGAATAGGAATTTACAGTTAGTACTAAGGTAAGTGGTGTCT
TAAAAATGTTTAGGATTTTGTCTCAATTTTATGAACTTAGGCAGCAATCGTTACAA
AGTCGATAAGAACAAATCGATGGTCCGATAGCTCTCACC CGCGCATCGAGGTGCTGTTGTT
GTTTTTTGTTGTTGTTGGTGTGTTGTTGGTGGGCTCGTCCGTGAAAGATCACTTGCTTGC
AACTTATTTATTAATTACCGACTAAGGAATAAGCATAGAGATGGTGTCTACCATTATTGC
>EP77724 (+) Dm CG4094_2; range -499 to 100.

AAACCGGTTAATTATATATGTTACTAGATGAATGAACGACCACTGTAATACACTACCGAT
TATTGAGATAATGCTGCATATAAAACATATGTATATAAGACACTAGATAGTAGAGCTACA
GTCCGGCGTAAATTCACCCATAAATCCCGAGGAACAGCGCTGGTCACATGAATAGCACT
GGAAATGCAAAAGTTTGAATCAGTCTGTTTTATAGAATTGCTATTGCAATTATTATGCA
TACAATATACATATATACACAAATATAGTTGAGATCCTCGCACTACTTTCGTGCCCCCT
GCTGTGTGCACCCCATGCCAAGTTGGGTCTTTCATATTCAGCGCCAGTGTCTGGGCAT
TCAACACCTCCCACTTCTGCGGGAAGTTGCTCGTTGAGAGCGCTCTTCAAGAATC
TGTTGCTGTGACACTCGGCTTTTGGTTTTGAATCCCCCTAGCTTATCGCCTCTGCCTTT
CAATGCCCCGAGCACGCTCAGTTAATATCGAGCAGCAGCCGTGCTCGAGTGGTGTCTCTC
TGATTTGTTCACTCTGATTGCCATAGTCTCAATTTGGCTTCACTTACTTACTATCTGTCA
>EP77725 (+) Dm CG15825; range -499 to 100.

TATGCTGACAAAAATTGGAACCCACCATAACCACTTAGATAGTTCTATGTTAGTACTT
CCTGAATTTAATTTGAAGCTCAAGGTTTTTCTATATATTCCTTCACCTTGCTCGCAGTT
TTTTCTAAGTTCAATGGGAGCTCATTAGCATTGTGTTCCACCTATAAACATAATTTGTA
TACATATATGTAATTAATCGCAAATGTGATAATGTGCGCAGACGTACATGGCAACTATAT
ACTGGGTCTTTCTTGAGCAAGGTTCCACGCGATCATCAAAGCTGAATATAAAAAATATT
CTATATAGGGCGATGATGTGCAATTAACCTTTCATCACTCGCAGCTTTCTGCACCAATTG
CGAGCTCCAATTCTACGTGTACTATCAGTGGCATTCTCTCTAGGTCAGAAATCAATCAGT
TCAAGACTGAGTTATACATAAGTGGCTCTTATCACCGCGTCTGAGGCTTTAAAGCGGAG
CTCCCTTCGCTCGATTGCATTAGTACAATTTAAATCGCGAGTGTGCAACGTATTTTCGG
TCAAGAGCTAAAACGAATTGCCAAAATGAATAAGCTGCTGATTTTGGCCCTTTGCCTGGG
>EP77726 (+) Dm G-BETA-13F; range -499 to 100.

CGATTTTTTTCATTGTTTACGTTTTTCAGTGATCGTTTTTCAATATTTTCGTCGAAGATAC
GTCTTAAGGGTTGCACAGGAATAATCAAGTGGGAACATTACACTTCAGAGCGATAATAG
ATCTTTATTTTTTATATTTTTATGAATTAATATAAAAAAGGAGTTGAAATAAGAAAATG
GTATATTTATATGACATATTTATATATTTATATATGTTGTAGTTATTTTACTTTCATGTG
AGGGGGCGTGCTTAATACTATATTCGGTTCAAAGAAAGGGGTACCACATTGTTTATATA
AAATAAAATATGTTTTTAAATATAACGCTTTTTGACAAATAAACTTTGAATAAATAAAG
ACAAGTTGGTATATTTGCCGGCTCTCTCCGTCCGAGTGTGAACAGCCTGGCTGCCGAAT
ATGTATCAATGCTATCGATATCCGCATACATCGATACTGCTTCTTGCACCTTAATTTG
TTTCTAGGTGTTGGCTGCCAATTGTAGAGTGCAAATGAAAAGTTACAGATTGGTGGCTTC
GTTAACAAAATTTTCAGTTATTTGTGTAGTTGAAGACGGGAATTTGTTTTGCGTATAAAA
>EP77727 (+) Dm ATPSYN-GAMMA; range -499 to 100.

TGTGGCTCTGCTGCGGGTCGGGGGAGTCAGTAGATCGGATCGGGCGCTCGTCTCCGTGCA
ATTATCCTAATCTTTTTCCCGAGTACGTACGCTTTTTTTGCGTGAGGCGTTAGTGACGG
AACTTCGTGGCTCGTGCGTGAGCAGCTGATTCCAAAACAGAGCTGGCAAGGAGAAGGAAA
ACTCTGGTCGAGGGTAGAAAACAAGCTGGCATCTTTGGCAAACCTCTTAATCCTTATCAA
TTATTATCTGTTTTTAACTCTATTGTCTATAATTATGAGTTACATAAAATCAAATTAATT
TCAAGCTTTATTGTGCATTCTGAAGCTTTCCAAAGAAGTTTTGTATTTTATCCAATATTA
ATAGTTATATTAGTACACAAATTCGATTATCCGAAATTTCCATAATTAATAAATTAATTA
ATATAATATTTTACCGTTCCACACGAATCGCCACCGCGTTAACCCGAAGTGGGTGGCAAC
TCTGCTCGGTGTTATAACACTCGTTGTGGCGCAGCCAACCTAACGCAAGGTAGGTGAATT
TTCTCAATTTTTTCCGAGTGAATCGAGCTAATTTTCGCGACAGGAATCTTCGACAATC
>EP77728 (+) Dm AATS-ILE; range -499 to 100.

CTCTGTTTTTCGCGTTAGTGATGACCAATGGGCTGATAGCAAAGATATATTGCTATCGAT
AACGATAGCTACCATATATATGCTAACTATTGATTGTTAAAAAGAAAATATACTGCTGA
GAAAAAAAACATATGGCTTAATATAATTTAAGATAATTTTTTATAATTATATATTACAG
TAATTTGGTTATACTACAAATTAATAATAGCTGGTATTTGGGGTTTTAATTTATTAGAAT
TATTTGTCTAAGTCAGGAATAATTGCTTTCAAACTATTGCATAGTTTATTCAATCAATT
GCCAATGGCTTTCTTACTTAGTAACTTACAGTTTCACTTTTATTCTTATGGCTAACAAA
TTTATTAAAGTTGTTAATAGTAAATAAGCCTTTCTTTTTTTTTCAGTGCTGTGCTCAGCT
GATTATCAAGGATGCCGCTCATCGGAACCTACTATCGATATCGCAACCCATGAGCTAGA
GAGCGATTAATGAACCACTAGTTCCTGACCTCGGGCACGTTGTGTGCCACGCAAAAACGC
CGCAAGTCAGTTGAATTTCTGATATAAAAGGTGGGCGAATAAGCTCTGTTACTTGATAAA
>EP77729 (+) Dm CG4523; range -499 to 100.

TATTATTTTATAGCGAAATATAAGCAAAGCAAGCTTTTTAAACAAGTGTATTGCGGCGC
ACATTTTCCGTGACAAATGAAAAGATCCAGCTGACCAGCGATTATCTAACGACCAAATCG
AATCGAAACGAAACGTTGAAGTAGGCGCATTACATTAATAATTGGCTGCCAGGCAAGTTG
GAGGTCGTAAATTAATCGTTTTGTTGAGTTGAAAATAGCCCAAAATCAGTCTAGCCACA
CAGATATCGAAAAAGGCGATATATCTTTGGATAATCATTGCAAAAATAAACCTTTTCGAT
TCGACGATTTTCGCTTGTAGTTCTGCCACCACGCCCCACACTTCGCCCCGAGCTGCA
CCACAACCACCACCACCCACAAACAGAAAAATTTATTTGCGACGCAAAAACAAAACAATCG
AATCGAAACGAACCGAACCGAAACGAAACGACAGCAGCTGTTTGGTTATAAATCGGCGCT
ATCGATCGCACACATGAGCAAAATTGGCGGAGAAGAAGAGGAAGCAGCAGCAAGAGTTAA
GCACCACAAATCTTAAAGAATAGGTAAAAATTAATAATTAATAGATGACAGACCG
>EP77730 (+) Dm CG6668_1; range -499 to 100.

GGTGACGAACCTCTCCGACTCGCGATCAATCAGATCCCGCTGCGCGTCGGTCATGTGTGC
GGCGGACTTGAGGTGCTGGCCAATGCGCATGTAGGCGGTGCGGTTCTCGATCAGCACATT
GCGCAGCGAAGTGATCTTGTGACACCTCCTTGGCCTGCTTGGCGAAGTCATCCTTTGG
GCCAATTGGTCCAGTTTTTGTGCGCACTGTGGCGGGCTTGGCCTTTCCGGCCAGCTCGGC
CTTGCGCTGCAGGCGCACCGTCAATTACGCTGGCCTTGAAGCTCTGGGTGATGTCCATAGC
TATTTGCTATAACTAAGTTTGAATATTTAACTTTTAAATCCACATCATCGGTCCAACAC
AATGTGGCGCTTCGTTTAAACGTTTGCAGTGTGACCTTATGATGACCGTTAATATATACC
AGTTAGCTAATACTAAAAATAGCTAAATGTTATCGATAAGCATTTCAGTGTGGCTAATG
AATTTTACCCCCACACTTATAGGTGATTTTTCGCCAACGGTGACGGTCACACCATTG
GCAGAGCACAAACAAAATACGTACTTTTCTGCTTCCAAAGTGTCGAAAAATCGCAGCGCA
>EP77731 (+) Dm CG6668_2; range -499 to 100.

CATGTGTGCGGCGGACTTGAGGTGCTGGCCAATGCGCATGTAGGCGGTGCGGTTCTCGAT
CAGCACATTGCGCAGCGAAGTGATCTTGTGACACCTCCTTGGCCTGCTTGGCGAAGTC
ATCCTTTGGGCCAATTGGTCCAGTTTTTGTGCGCACTGTGGCGGGCTTGGCCTTTCCGGC
CAGCTCGGCCTTGCCTGTCAGGCGCACCGTCAATTACGCTGGCCTTGAAGCTCTGGGTGAT
GTCCATAGCTATTTGCTATAACTAAGTTTGAATATTTAACTTTTAAATCCACATCATCG
GTCCAACACAATGTGGCGGTTTCGTTTAAACGTTTGCAGTGTGACCTTATGATGACCGTTA
ATATATACAGTTAGCTAATACTAAAAATAGCTAAATGTTATCGATAAGCATTTCAGTGT
TGGCTAATGAATTTTACCCCCACACTTATAGGTGATTTTTCGCCAACGGTGACGGTC
ACACCATTGGCAGAGCACAAACAAAATACGTACTTTTCTGCTTCCAAAGTGTCGAAAAAT
CGCAGCGCAGTGAAGTCCAGTGTCCGATGTAAATGGTTAAGTAAAGTGAGTAACAAAGGC
>EP77732 (+) Dm AMR1; range -499 to 100.

ATACATACCTATAAATCTGCACCACGAAAATAATTAGCAGGAAGAACCCGGTAATCAGGG
GAAAGTTGCAGAAGCCATTGGAAGCCCACTGGACATCGAACATGCCGTCTCTCCCGCC
ATTTGCCAGTTGTAAAGAGCAGGCGAGTGGCCACTGTGGGAAAATAGAATAAAGAACTCA
ATAATTTACAGGGGACCAAAGAGGAAGTGCACACTTACCAGAATTGGTCGAGGTTTATAA
ACAATGGCACGACGATGCACAGCGACAGGATAAACAGGATGACATGGCCAGCTATCTGGC
TTAGCTGCAGCACGTTGGCCAAAGCCATTTTGTCTTTGATTTCAACAAAAACAAATGAAA
CTCCACAATATTCAGACAAACACGGCAATGCACTTTTGGTGTATCGATAAGCAGTGTG
GACAGCACCTGTCAGCTGCCTGCATTGGTATGCGCAATTATCGATATATACACCCTGGGG
CCATCATTCTCGTTAAGCCATCTCTAGTTCGCCACTGAACTCGTAAAAAAGTGTAATAAT
TGTTTACATTGAAAAAAGGTAAAAATATTGTTCTTGAGGGCTACCTACGGTGCTCCCTGGC
>EP77733 (+) Dm CG5175; range -499 to 100.

CAGATAAATGTACGATCGTAGACAAATAAAAGGTTTCCAGCTGGAACTAACTATGCG
AGGGTCATGCACTTTTTATGCCTTTTTTGCCTTTGTATGTTTTATTTACTGCTACTCAC
ATCTGTATTTATTTATTTTGGCACTACACAACGATTTTTTCTACTCTTCTTTAAGGTA
AACATGCAAGTGCTGGAAAACGCTCGACACTGAAAGCATGTAATGACAGGAGTTGCCAGA
TGTCACACAGCTGGTGGATATTTATAAAATAAATGGTATACATGATATTAACACACATT
TACAAACAATTTTAATTAATTAACACTTTAAAGTTGGTTGTTACTGTTTCACTATTCTGATA
ATTTTTTTTTTTTTTTTTTACATATAGATGTAGAAATTCGAAGACGTGAACCATCGTGA
CTTATCGAAAGCAAAACGATGATCGGCAGCACGTGGTATTTCTCCGCGTGGTAGCTAAGG
TCCCACTAGCGCGTTGGTTATAATTTGTTTGTATCGGCGTCGGTTGAATTGAAATCAGTT
AATTTGTCGCAAGTAATTTCTGTATAAGTATTAGCTGTGCTGCTAGAACTAGAACGCTA
>EP77734 (+) Dm CG13900; range -499 to 100.

ATTTTTTTTTAAATACCTTTTAAAGTTTTCTCCTTAATCATACCTTAATAGCATAGTATTGA
GCCAGCCCTTTAGCCACAATTCGGTGAGTGGTTTTGTTTTCATTTAAGCCCATGATAAA
AATTTTTTAAGTTAAAGAAAGATAAAACGATTGATCCAGTACATATTTTACAGATCCTT
GAAATTTTCCATTTTTTTCACAGAAAATTGCATATTATATGTTTAGCTTTTGAGGCAGTTT
TTGGTATGTGGAACGGGATTGGCCCATGGCAATTTCCGAATATTTAAATGTGGTATATT
TAATAAAGGATAAATTCGATATATCTTGACCAGGATTTTAGGAACTTATGATTTCTGC
AGCAACAATTTCCAGTAAAATAATTATTTAATTTATAATCAGTCTGAACCGGGCCTATTA
TCGATAGGAAAAATCGACGGCCGCGCACTATCGATAAGTCAAGCCACATTTTATGCACCAC
CATTTTTACTTTTATAGTTCTTTTACTTTTTGTGCGCAACAGAGCAGATGTGAAAAATGA
AGAGTTCTGAGTAATCAGGAAAAATTCGAATCCAAAGGCATCGCTGGTGAAATGTGCTAAT

>EP77735 (+) Dm CG12233; range -499 to 100.

CCTCGCCTGGCTTCTCGACAGCGGCCCTTGGATTATCCTATCCCCGTTTTCGTTGGAG
ATCGAGAAACGGCTTCGCTTGCCCTTTTTGATGGACACTCTCAGCACTTTTTCTAGAAT
ATACGTCAGAAAACGAGCGAATGCTCAAATTAATTTAACTGTGGCTGTAGCAGCCACG
GTTGCAAGGGATACACAACTATCGATTAGGCGCTCCGATATTCGCTTTTGCCCTGTA
CAGGGATGCCACACGGCAGGCTGACTGAATTTGGGCGAGCAGACATCGATATTCGACAT
CTGTTTATTCACAGCCAACCTTAATGTGGTTTTACGCCATACATATGATGCTCGTACAGC
AATTATGTGACTGATGCAAGCGAGAGCATACAAATACGGGGATATGGGTGATTTGTAATT
CCACCCCATCTGAGCGCAGTCCAGGTGGCAACGACGCTGCCCCGCGATGCCTATCGACC
GATATACCGCAGATTCCGCAGTTTTCCGCAAGGTGGCGACTACGGCGGGCGCAGACTAAA
AAGACAGACTTTTTCTATATAATATACGGCAGGAATCAGTGCAAAAACCGATCCAACGC

>EP77736 (+) Dm BCDNA GM14618; range -499 to 100.

ATGCTGTGACAAAGATGCCTGCAAAATAGACAGGAATTAGGGTGCGGCTTTGGCTTGCGT
AAAAAGCCTTAATAAGGCAGCTGCATACCTGTCTATGAATAGGGACATGTACAACAGG
AAGATCACAAATGTGAGCTTGGTGGGGAACAATTCACGCCAATTAGTTGACATTTCTGCG
GTCTTCGTACTGCCAGCTTGCGTTGCTAATGCGAAGAGAACTAAGACTAGCTACAAGTT
GCGGCAACCGCAGTTTACATGACCTCCGCTCGTTCTGACAAAGTGGGCGTTTTCTCGG
TTTTCTAGGAAGTACAATTTGAGTTTTGTTCTGTTGCTTTTCCACTGATAAAACAAAATA
TATTTTGGGCCTTTTTTATCGCTCGCCCCAACAGCTGATTTTAAAGCAGTGACAGCTTT
TCAACACTTCAACCCACACAAAAATTGTGGTGTTGCGAAACGCCCTTTTACCACTGCAGC
CGAGTTACAGTCGTGGGTCTTTTCGCTTACAATTCGTCAACATGGCAAATCGCGCAAATC
GTCATGCTGCTCGCACCAGGATTTCGGATAATACCATTAACCTACGTCCAATGCGACGGAC

>EP77737 (+) Dm L(3)05822; range -499 to 100.

GTAAGTCAAGTTTGTATTGTTGCTGTTGTAATGTGCGCGCTTTTGGGCTCGTC
GGCGGCGTTCGAGCAGTCCAAATAATATATATCGGGATTCTATTTTCTAAGGGATGCGG
AAAGCAAAGTTTGTCTTTAATTTGGAAGTATTTCTTGGGCACCTTGATCTGGTCAGACT
GTGTTGCAATTTAACCGGAGAAACGTTACATCGTGGGTCAATTCAGCATCTTCACACTA
GAGATTTCAAGAGAAGAAACAGTTGTCTTTTATTAACCAAGGTTTCGCTATCAACAT
TTTCCAAAGCAATTAGTCAAGGAGAGTATAATTAGATTAAGTACTTTCAAAGGAACCAA
ACAAGTTAAACCTATTATAACCATGATGCCAGTGGAAACACATCTAAGCATTTAAATTA
ATCGATAGAAAACAGTGTGAAAACCGCGGAAAATTAACCTTTTAAATCGCTGGATTATT
TCGACTGCAAGCCACGGTCACTCTGGCAGAATCAACATAACGGACGCGTTTCGCGGCGCAA
TAAAAACGAAAAATAATTAATTTATCCATAACTCTTCTGCGACACCATTTGAAAAACATC

>EP77738 (+) Dm CG9331_1; range -499 to 100.

CAAAGAGTTCCTCTCTGTCTCGTTCGACCGATAAGGAGCCTTTCGAGATAAGCAGCTG
GAAAGGGACGGACTGATGGTAGCGGCAAAGCGCAGTGTGCAACGACAGAAAGGGATGCC
AATGATGGTCTAATCGGAGGGGAATCGCTGATCGCTGATAGTACTGGAATCTGGTTGAT
ATAACCCCAATATTATGTTAAAGAGTGAACACATTTTTAACTGAGATTTAGTGAGTTT
CCGGCCTTTAAGGGGTGATTTTTACGATAATAAAAGTTTGTTAGATCGCATATTGTTTT
AAATATTTTCATATATGTTATTTTATTTTAAACGAATTTATACAATTGACTTCAAAAATATC
TGTGCACCATTCATAAAATGTAACCGAATTAATATGTTGAAAATTACTCTCGTATTAA
CTCTTTTTTGGGAATTGATAATTCAATTTGCGATACGATATGAGTTCTATATAAGGCTTAA
GCTTTGGGGCCAATACTTCAGTCGTGCGGCAAACGCAAAGCTGAAAAGTATTCTAGTTCT
ATAGATCTCACGGTAAGAGAAAGTATAAAGTCTAAATAAGAGAACATAAAAAATGAAATCG

>EP77739 (+) Dm CG9331_2; range -499 to 100.

TATTTCCACTGAAATAATTGTCTCTGTTTTTTAGCCAAAATAATTGGCTCTTAGTCTTTG
ATAAATTCATCTATGTTTCGTAATTTTTTTCATTACGCTCCACATGTTAAGTAAAATTA
CTTAATTTTAGAATGTTTATTTTTCGCAATGTTATTGTTATTAACCCAGAAATAATCTT
GCACCGTTCCTGATTATTGAATCCACTTCGATAAACTCCAATATTATACCTTAGTTCTC
GAACAGCAAACCGAGTTGTGCTCTTATACATACGCCGTAGGAGAGACTGAGACTCACAT
CAGCTGCTCGGCGGCTTGAACGCCTACAGACATACATACATACGTACATACATATATAGG
GAGAGATTTAGAGCGCGGATTATAATGCTAAACAGGTTCAATGGTTTTATCGGCTGCGATC
GTGGGTGCGAGCAGTCGGATCAGCGGCTTTCCGTTCTCGCCGCTCCTTAAAGCTGGGTGC
GTATGCCGCTTGAGAGTTCACTGCTCGCGAAACACGACTTCGATCGCAATACTTCGAGA
TGAGATCGATTGCCACCAACTCCCTGCTGCCACTGATTGTGGCCTTGCTGATCGCCGTA

>EP77740 (+) Dm CG2915; range -499 to 100.

CAATAAAAATATAAAAAACAATATTGAATGCGAATATGTCTAGCATATGAAAAAGAGTAT
ACATTTTTTCAAGTAATTTAAAAATACCAAAATATAGAACGTTTACATATGTATGTATGTAT
GTACATAATGAAGGTTATGTTTGGACAGCGTTCTCTATAATCCAGCCCTAAATATCGTAA
TTACCAGACTAAATATGAATTAATGGGATACTTTTCGCGGAACTGTTTTATGACGGTCA
TAACGCATATGTCTCTTCGAAATTTGATCGCTTGGAACCTGGATTAGTCGAAACAGCT
GTAAACGAACTTCAGGTTTTTCAGCCCTTTCCGCTGGCCGCTTCTTCTGTGGATGTGGAC
CCGGCTGATAGCGATAGCAATAGCTAGCTCTCCGCTGTTCTCGCCGCTCTCGCTCGTTC
TCTGGCACGCCAAGTGGAAAAATGGGAAACAAAATTATAAATATGCCAGCAGCGCGGATC
GGAACGCAATGGTTAGTCATTCTGTGTGTAGCGATGGCAGCGAGCGGTACTAACTTGGAC

AGTGAATATGCCCGGTGGCTGGGGACTCCGGCTGCCGCGGAAATCCTCCAGACCAGGCG
>EP77741 (+) Dm PSB4; range -499 to 100.

TACATTTATTGCTCTCGATTCTTATACTTTAATGACCATTGAACGGCTTAAAATGAAGTA
AAGCAAATGGTCATTATATATTAATAACATATATTTAGTTTCAAGGAGTAGTAAATAC
CGTAGAAGCAACGGGTATACATGAGTCTTAATCCTAATTGAGTGAAAAGTTCTTTAATTT
CTTATCTTTCTTCTCCTTGATTGTATTATCAACGAGGATTATAAAGACAAAAGTAAAA
AACAAATTCAGTATAGGCAGCGTGGTGTAACTGTTTTACATTACTTTTAACATCAACAT
CTAATAAAATGTTAAAAAGTTCACAATTAACCTTCAAATTAATTTAATTTAACACATGTA
AAACGGTGTGACCAAGCTAATAGTGGATTCACTTTGGTATGTCTGGTATTTTTAGCTAC
CGTTTGCCGATACTGGTATTGCCGCCCGCTAAAGTCTGTTACACTGCGCTGACTCTTG
ATTTTATTTGTGCCCGTCATTCTCCGGCAGCGACAAACATTTCAAAGTCTCGCGTTATTC
CAGTCTCCGAATAAATTAGCATGTTGAACAACTACAACAGCCTAGCGCAGCCCATGTGGC
>EP77742 (+) Dm CG6090; range -499 to 100.

ACTTTCAACTTTTAGCGATCCATAATTGGTCTGAAAAATATGCGGTATTGTTTCGCCCTT
TTTGTTCACTATTTTCGGGCACCGCTTCGATGGCATGCATGGAACGACACTCAAATAAAG
GATGACCACATCGCCCTTTTCTATGTGGGTCTTGGGTTTCAGAAAACATGTTTTTAGT
TAAAAACCGTAAGAAGATTTTTATTTACAAAATAGCCGCGTGTAAAGCAATAGAGAT
GGAAGTTTGGTAATCAACAGGCTATCGATAAGTTTAAGTAAAGTGGCGGGTCAGGGCTAC
ACAAAGTCCAATAATGCATATTTGTACTTTTTGGAAGTTTACATACTAAAAAGTTTAGTA
GAACGAATAAACAACTGGTTTTGGTACTAAATAATATATATTGTGTCAAGTTAAATGTGT
CGAGATAAATGTTTTGAAATTATCGATAGCAATTAATATCATCAATTTTTCTTCAGCTC
TAGCTTCTCTTCTCTCTTTGATTTCCGGAGAGGTTTGTGTTTTAATTGTAATGATT
ATTTTGATTGCAAAAAGCGCTTTAGTGACGTTAATTGCGATGCAAACTAGACTACCATG
>EP77743 (+) Dm PROSMA5; range -499 to 100.

CGGAAATTAATAAGATATTTAGATGATAGTAGCCAGTATCAAGTAATAACGTATCTG
GAAATTGGTAATTAAACCGGGTCTTGAAGTAGTCCAACACTTAAGTGTGTTGACTT
ATATAACCATTTAAAGGCTTAATGGCAATCATGTCAATTTGGGCATTAAGCGGGAAATG
CAAGAAACTTGATTGGCATTGCAGCAGAGCTATTTTCAGTTAATTCAGTCAAAAACCTAT
AAGATTAAGATTTCTAAAACTATATTGAAAAACCTTAAAAATCTTTTACTTCTTCAA
ATATTCTTTGTGATCGTAATTGTAAATGAAAACCTTAAAAATCAATTTAATTTTTATTT
AAATATGTGTAATAATTAACAGCGACAACTTGCCAGATCAACCAATTTTGATGCAGAGC
TGCCAACCCATGTTTAGTACAGTAATATTATCAATCGAATAATGTGGCAGCACTAGTTAT
CGATATAATCAGAGACGGCAGTTCATCCGCAAGTCATTTACGCGTCAAGTCATCCGGCAT
TTGTTTGGCATTTTGTAAAGGAAATATAGAAAAGTAAGCCCTTTTCGAAGTGTTATTTG
>EP77744 (+) Dm CCT-GAMMA; range -499 to 100.

AGTTTAGTTGGTTAGGCTTTTAGGCTTCAAATTTCCACATTTTAATTATGATGTGATA
GAAATATGCTATATAACATAAATTTAAATCCATTGTAATATAAATTAATTTCCAGTAT
CACTTACACCGTAGAAAATATTATTTATTGTTACAAGTTTAATGTTTTGATTTGCTTAA
ACCTCAGGGTGGAAAATTTAAACCAAGTTAGGCGCTTCAAAAAATCGCAGTTATGACG
AATGTAATTCTGTGACATCGATAACAAAAGCTGCATAGTGAAGTATACTGTTTCTCGAT
ATCGATTCTTAAGAGAGCTGCTGCTTGAATTGTGGAGAATTTGAATTAACCTTATAAGC
GATCGCAAAAGTCAGTTAGCAGTAAGTGAGGAAAGAAAAGAACTAGAAGAAGGAAGTGG
CAGAAGTAACAAACAGCCGGTCCGCTCAATATCCTATCGAACCTTCTCGAATAATGTGT
CATCGGCGGTTCTAACCTCACTATTCTCTTTCAAACAGCGGCAGCGCCAGCAGAGTTC
AATTGTTTTACGCAGAAATAAATTAACAGCCAGAAAGATGTTCCGGTGGACAGCAGCCA
>EP77745 (+) Dm CG1753; range -499 to 100.

ATTCTCACCATAACAATGGGATAAATACCCTATATTATTTTTAAAAATAAAAAACAAATC
CACAATTCGAATGAAATCCAATGAAAAATCCACAATTAATAATGAGGCGAATTAATTT
ACGGTTAACAGTTTTACACGTTTAAAATTTATACAAAATTTACTCTTAGGCCCTTTCTAGA
CTGACTGGAAAAAAACGGGCTAGTTGTATGTACCTCTAGAGGAAAAACAGCAGTAATGTCA
AATCTAAAATTTCTATTAATATATTAATTTTTATTTAAATGGAAATAAACTAAAACAA
TGGCATTATTGACATTTCAAGTATTTTTTTGAAGTATGTCAAAATATATATTATGAATAT
TTGCCACGCTGTTGTTTTATGTTGTGTTGAGCATGCCACCATGCACCAGCACCAGTGTGC
GCTGCCGCCGCTCTGCGGCATCGCAGCCGACCGTTAGCCGCAAGTTGCTTGCGTTGGT
TAGATTCCCGATTCCGTTCAATTGCCTTCGTTGGCAGCATCGTAGCGGTCGCTTTTCGCA
GTTTCGCGCTAGTTAGTCGCTCCTGGGTCACTAATCACCAGCACTGGTAAGTAAAACCTAA
>EP77746 (+) Dm WDR1; range -499 to 100.

AGGAGGTCCTATGATTAGCTGTCCATAACGTGGATTCTCCACGGTCGCTGCGTCGGAAA
TCTTTGCATCATTTCTTGCGGAAAATGAAAAATATAAACAATGGTAGAGGTGGGGAACCAC
AGAGACCGATTAATTTATTTGGCGCAATTTATCGATATTTAGATAGTTTTGAAAAATAT
ACATTTTATTAATTAGATAAAAAATACAATTTTGATTATATATTTCTTTTCAAATATAG
GAAATTGAAAACCTCAATCCCAAAAAAAAAAACAATTTTTTAGTGTATAATTAACCGGT
AGCAATTAGTAGTTACTGTTAGTATAAAACACAGAACATATATTTTAATTTCTTTCCA
GTTCACTTCGCTGTTAAAAAGGGTAAACGCGAGCGCAAAGTCGATATAAAGCAAAGAAAA
AACCATCGATGACGACGATGGTGAACATCGATCTTAGCCCACTAATCGTCGGCGA

ACTTGAGTTTGGTGTTCATTTATCCGCGGAATTCGCACTAATTAGTAAAGGCTTCAG
GAGCACCGAGAAATCACCAGAAATGGCACAAACCCCAACCACCGCGTACGAAAACAGTGAG
>EP77747 (+) Dm CG6199; range -499 to 100.

ATTATGTGAACCTACCCTAGGAACAACACCCACATTTAAAAACAGTACGCGCTGAATATT
TTCCTAAATAAATTTAAAGTAGTTTCGGCGAAGAAACAGATGATTTTCCATTTAGATTGG
TTTTTCGAAGTATGGAATATTTTAAATATTAGATATTTTAAATTTAACTAAGATTACT
AACAAATTTAAATTTGTGGAAGAAAGATTCATTTAAATTATATTTACATATTTAATTTAGTA
TAGAAACATCAAATACAAACATTTTGTAAAGCAATATTTACACTAGCTGACATTTAAAT
TTCGGTGTGAAGTACTTTTTATTTTTTAACTTAAAAAATAACTTGTTAACTTTATTTTTT
ATTTAGTCTAGACACATTTAAAAAAGAGGTGTGAAAGCCTTATTTTACAACAGCTG
ACTTGGGACTAGTGGATTTTTTAGGCCCTTTTTTTCAGGCGATATTTTCTAACGGCTTAG
CCGAGCCACACATTTGTTATTCGCGTTTCTGAGTTTCTTGCGGGTGGGACTCCCGATAT
TTTGTGGAGCGGAAGGTGTTTTGATTTCTTAGCATTTAGCACAAAAAATGCAACTAGT
>EP77748 (+) Dm CG6084; range -499 to 100.

CAAATATTGTAGGTGTGAGAGGAGTATGCTAGAGCTCCCAAGGTGGTTTGCTTGGACGG
AAATGAGATTCCAGTAATTTGGGCTCGGAACCTTTCAATGTAAATATTATGACAATGTCTGT
TTTTTCATATCTATGCCATAGTTTGTATAAATAATCATATTTTTACGAAGATATGGATAT
AAAAATTTTTTACATAGCGATCATAAAGAGCCTATATGGTTGAAGGGCTTTTGAAATTTTA
TAGCGATCATACATATGTAAATGATACATTTTAGTATCATTTATTGAAATCATTAAT
GTTTTAATTGATTTAGTTTAAATATATTTTCTTTTATGCTATATAGAGAGTATATCAGC
ACTCGATATTTAAGCGTAACGTACGATCGCTCAGCTGTTTCGGCTTGTGCGACTATGCAGCC
CTGTCCTCCGAAAGCTTTTTAGAATTTCAACAAAGCTTTTTCGGTGCATATAAGCGGT
TAACAGCTGAGTGAATCGCTCAGTTTGTGAGAGGCGGCAATCGTTAAAGATTCCCAA
TTGTATTATAAATATTTATAAATATCCTTAAACAATAAGCGAAAATATAGTACAATGGCT
>EP77749 (+) Dm CG10057; range -499 to 100.

TAAAAATTTAAATATATAATTTATATTTTCTGAACAATGGTTGGTTTTGAAAAGGGATT
TGATAATTTACAGCCTTAAATAAACCATATATGTATATTTACAATAATTTAGGAAAAGTT
ATACCTTAAAAATGTATAACAAATTTAACTATTTTGAAGGTGTTGCAATTTTATTAATA
TAACCAAATATTATTATAAATGTTTAAACGATAGATACCAAATGGTGAGTAACGAGCAAC
TGACAGAATAATGGTAATTATCGATTGTTTTGAAATAACGTAAAAATGTGAATGGTAATT
ATTGATTTCCATATTTATAAATAATTCACCTATATCAAAAAATTTACATTATATTTAAA
TTTCCATTTCAATAAATAACCGAAATGTACTCAATCGATTAATCGATTGCAGGTAGAGG
TCACTACCAGCTCTAGCAGCTCGGCCATCGCCAGAGGAGAAACACTTTTGGGCCCGTAG
AGACAAATGTGACATTTGTTTCTTTGATGCGTTGCCATCGAAATCTCTGTCTCTTCGG
CCTGATGCAAGTAATAAATTTAAGTAAAGGCAAAATATCCTTGTAATTGAAAGCGAGTCC
>EP77750 (+) Dm L(2)37CC; range -499 to 100.

GCAGCCACCGCTGGTTACTTTTACCATGTGGCGCGACTCTCGAAGGGCGGTCACTACAAG
ACCATCAAGCACAATCAGACCGTGATGATACATCCGAACCTCTCGCTCTTTGAGGAGCTG
CCGCGCTGGGTGCTCTATCAGAGCTGGTGTTCACCTCCAAGGAGTACATGCGTCAGGTT
ATAGAGATCGAGAGCAAGTGGTTGCTGGAGGTGGCTCCGCACTACTACAAGGCCAAGGAG
CTGGAGGATTCGACGAACAAGAAGATGCCAAAAGTCGCCGGGCGAGCCGAAATGGCGCAA
TAATTTTGGAGGGGTTTTTAGTTTTCAATTAATAATAAACTTTTATTGTAAATTTACCA
TTTGTAGTTTGATATTGTAACTGGCTTTGTTTATTATTATTCTTTTTAAATTTTGATAA
TCGATAATCTTAGGAAACAATCGAATACGATTCTTATTAGTACGTTTCGATATATGGCGG
CCCCACCGACAGTTGTATTATCGATAACAGGCCGTGTGGTTGTATTTCGTGTTTTGCATT
TCAAAGAGCAAAATTCACAATAATTTAATTTAAGTGCAACCAAAAACCTTTAACAAGTG
>EP77751 (+) Dm CG14207; range -499 to 100.

TTATCAAGATCAAGTTGATCATCAACTAATTAATTGTTGCTAATTGAACACTTGTTCCTA
GAAAGTTTTTTAGGAGCTTTGAAATGTGTTATGTTATTTTCATTGCAATTTATGAATTACTA
GCTTATTAACGGAAATAAATCATGGCTTCCCTGTTTTTCGGTCATTTTGTATAAACCAAA
TTTGTCTTACAACCTATTGTTTCACTTCTAAATGTGTTCCCGTGCGTCATTATTTCCATA
AAATACAAAATCAATACAGCGAATATAGTGTGTTTGGGTGGTCCGCTAACGATTAGTGGTT
AAAGTACGCTTAAACAATTCCTTTGCGGATAGAAGTCTTTTTGATCCAATGGCAATAG
AAACATAATCAAATCCGAAATCGATGACTAAATGCGGCTTCATCGGTCTATCGATATCG
CCACACTGCTGCGCAGCGGAATCGAAGTACAATCGGTACGAAAGCTATAAAAGCAAAGA
CACACTGTGAATGCAAAACAGTTCAGAAATTGAAACGCGGCTATCTGTGCGATACGTCCA
ACCGAAATCACACACTTGAACGTCTTGAGTTTGAATACATATAGAAAACCCATCGAGTT
>EP77752 (+) Dm PROS-ALPHA-7; range -499 to 100.

CTGGTTTACAGCTGAGCCATTGAGGCAAGTAAAGATGATGGCCATTCGGGCTCCAGGCGAT
GTCGCCGCCGGCGTAGAAGTTCTGTGAGCGGGCTCCGCCGCATAGCTGGATTTTAAAT
TGTTGTAGTCTTGCAATCATCAGGTAATTATTAAGTTTATGTTACCTTTTCTCGTGATA
CCCGCCAGCATGATTTTCGTTGTTTATAAATACAAAACCGCGTGCGCCGCGGATCAGAA
CATGAACGGAACTAGTTTCGAAATGTTACTTTACAGAGCATGTAAGGGGATTCGAAATG
TATAAGTAGAAAAGAAAAGATGATATTAACCTTCAACTGTGCTAAATAAATAAAGTACCA
TGAATTTGGTGATTTATTTTTAATCATTCGAATTTTATCTGAAAAATCAGGATTGGTATA

CGATTGGTTTTTTATTGACGATAGTCGTTCCGAACTATCGAACCTCCTTGACCGATAGGC
CCCTTTGTTTTGTCACCACTAGCCAAGTAAAAGCCGTCAAATCATCGTCGATTGACCC
CAAGGAATTAATACTAATTTTTGCGTTTGAATTGTTTAAATTTTACAAAAGTCTTCGCTAT
>EP77753 (+) Dm EEF1-DELTA; range -499 to 100.
TGTTAAAGAGAAGAAGAAGCATTAAATAGTTAAGTGAAGATAATATATAAAAAAGTAT
CCCTCTGTATCCCTCTTTCATCAAACCTCTTCACGCAACGACGACAATTGTGGTGAACAT
TTCGTTGCAACCCATCACAAGCAATAAATCAACTGATGACAAGTATACACACATGTTGAT
CCGAGGCGCTGTGCAAAAGTTCGTCAAACATCGATGAGGTGCCACGTGGAACCTTACATTT
TGCTACGTTGAGATCAAACTTTTTTTTTATTTCTTTCCGGGCACTAATAAGTGTTCAT
TTATGGACGTTTTGTAAAAATTGCAATAAAATTTGTTTATTTACTCGCACATCAAAAAGCA
GTTCTGATGAGAATGAGAACGTGTTAAAAATTTGGTTGAAATAAAAATGTCGTGTTTCAT
TTCCATCGTTTTAGTAGCAATAAAAAACGAATCCGATGGCGTAGATATCGATATACCTGC
ATTCCCTTTCAAACGTGTTATCGTATTGTTTCAGCCAATTGTGCAACGTGTTTGAGTAAAT
CTGCGGGCGAAAGACTAAAAATGAAAGTAGAGGCATTGGACAAATTCTGGGCTGACAAGA
>EP77754 (+) Dm BCDNA GH02419; range -499 to 100.
TACATATATTCGAACGATCTTTTGAACCTCACCTTAATAAACGCACCTTACTGCGAAGTTA
TGGTTTTTATAGTTTATAGTTTTATCGCAGTTACTGGGCGGAGGTTATTACCTCCTGTTT
CTGAAGTGCACCACTCAGACCCCTTTTTGAGTTTTTCGATAGTAATGTGGATTAGTTGGTT
ATCACGAATGCACCTTGTGTTTGAATCGGTTTTAGAAAACCAATTAAGCACTTGAGCAAT
TTATGGTGTAAAAACGATTAAATGGATCAATCTAAAGCCAGTTTAGCAATCTTTAAAGGA
ATACTTAAGAGCGCGCATGTACATACTTTATAAGCCTATCAGTATTTCAACCCGGCGAAT
TACCCGCACATACATACCTACAAACGATCCTAAGTACAAACATATGCATATGTACATATG
TGGGAATACTTGCTCACTTTCTCAATTTTTCGTACATTCTCAAGTAGGTCTCGAGCTGAGT
TTACGATCTCAGGTTGAGCAGTCCGCATTGAGAGGCCGATGCGATCGTTTGGGTCGGTTG
GAACTTTCTCTATAAGTCGGTTGTTCCCGCAACCTCTGTGTGCCTGTGTGTATATACA
>EP77755 (+) Dm CG6210; range -499 to 100.
ACTCTTTGGACACCTGTGCGCAATATCAGCTGGAAAGGCCGAACAGCTGTTTGTAGACCCG
CCGTGATGATAACAACAGCGCGATGATGGGGCAACATCGTCATCGTCACCCGCTCATTTG
GTTTCCGTTTCCGCGGTTTTAGAATTTCAAGTGTATTCGATTTACTAACTGCTTGAAAAAG
TGTCATTCAAAAATACGAAAAGCACTCTTTTCATAGAAGAGCATTTGTTTCTGTAAACTT
CCGCTTTACACTAGATTACGCAGCTCAAATTTGTTGCAATTGACTGATTTTATGTCTAAA
TAATAGTTTCATATTCAAAAAAGCACCATAAGCTAAATAAAATTAACAATCATTCAATTA
CATTTCACTAAACCGTTATTTGGTTGACAAAACCTAAATAAACTAAACATATACTGATGT
TGGTATTTTGTTTAAGTACCGAAATCGTGCTTTTTTCAATCATCCGCGCAAGGTCACACT
GCTTTGTTGATTCTTGATTAGGTTCTGCATTTTTTCTGTTTGCGGCGGCGGCGCGCGTT
TGAAGTATTGTTTTCAAGTGCAGCAGATTGTTTACTTTACGCCCACCAACTGTGTAAC
>EP77756 (+) Dm CG9705; range -499 to 100.
ATGGTCTCAATCAAGTTTTCTCTTGAAAAACATGAAAGTTCTTGTTATTATTTATCTA
TTTCGCGACTTTCTGCAATAGGACGCTAAATTTCAAGCTAGGGATGGTCAAGATCGAGA
TGCTTTAGTGATGGAACAACGGGTGAAACTATCGAGTACTACATGTAAATAAATATATT
TAAATATTCAATTGTTAGTGTGGAACAATATTAGTCTGAACACATTTTTTTTCGTATATCA
AGCATATAAAAAAAGAATCTATATAAGAGTTGAGTGTGTGCGGAAAAATGCAATTTTTT
AATTGTTTAAAAATAATTATAAATGCTTTCATTAATTTTACATCTATTTATTCTACCA
ACAAGTTGGAGTAACTTGTAATTAATCCTGTTTGTTCGTTAAATTTGATTTTCAAATTTT
ATTCATGTTGCTATAAACATCGATTGCCAATTAGGCTAAGCGATAGGTTTTGGGATTTCT
GGAACATTCCAAAACGTTCACTCTGAGGTCTGACTTTGACGCCTCCGCCGCCATTCTGTTA
AAAACTGAAATTCTTAAAAAGCGCGCATCAAGCCGGTGTAATAATTGATAAAAAAGTTT
>EP77757 (+) Dm JAR; range -499 to 100.
CAAGTGAGCATCGTCTAATTTTCTGTTTATCTCTAAACTGCCAGGCAGTTACTATTATTT
AACCGCGTCTGTGGCCGGGGGCTTATCAACGGGTCTACTCACACAACGCCCATGAGTCA
GAAGGCAGAAGGCAGTGCATGACCAAGAAAGGTAAGCAACGAATAGACATAAACGAAAGG
CGAAATGAACGGAGGCAGACGAAAAACAGAACTGCCACAGCGACAGCAGCAGTTAAAGA
ACAATGGTATCCATATGCCAGGGAGTGAAGGTAAGGCTAAGCCAGTACCAGTTCTCTCA
GTTCTCACTGCCTCAGTTGTTTCAAGTTCTCAAAAGAGAGAGATTTGAGAGAGCCGCGAGA
GAGGAAGGTAGATAGTTAAATGGCCATAAAACACCGGCACCGGTAGTAGCCCTAATGAC
TTGCCGAGAGTCACACACAAATCTCTCCAGCCAGCCGATCGCTCCACTCCACTCTACACC
ACACCACACCACCACTCACTTGTCTTTCCACACTCGACCAAGTGTGGAGCGTTGGTTGT
ACCTGGCCGGAATCCAGTTCTCTCGTTCTCTGTGTTGGCACTGCGAGGTAGATAAGA
>EP77758 (+) Dm AATS-LYS; range -499 to 100.
CTCGTTTGCCTCCTGGCCTCAAGATGTGCTCTTCTCTTTCCAGCACCTTGCTCTTCC
TCTTCTGGTCCACAACCACCACTGCCACCCCGCCCCGCGACCAACCCAGGGTTAACAG
TTACAGTTACAGCTGCAGTTGCTCTACTTTGGCGTTCTGATGTTTGTGCTTCCGACCG
GAGCATTTCCGCTCCTCCAGCCATTGAGTCCAGTTCTGGGCCGTGCTGTGCTGTGCTCAC
TGCCCCGAAGGCCGTGGCTTTAGTTGATCAATTGTTAATTTAAGGATATTGCAAAAGCTA
AATAAAATATATATTTCCGGTCTAGTGCAATGTGACCAGATGTCAATGGCGTAAAAATGC

CCTCGCGCCAGACTGGCCATCTGGTGGCGCAAAGCCAGTTGCATCGATTATGCCCATCT
GGCAGCGCTGGTGGTGTACTTTTTTTTTTTTACTTTTGTGGCGCTTTCGATTTCGCATTT
CTTTTGGGTTTCCATCGCTTCTGAGACCCCGGGATTAAACAGCGAACAACGTAACCGCAT
CAGCATGGCCGTGCAAGTGGAGAAGTGTCCAAGAAGTAAGTGCCATAGGCTTCAAAGCG
>EP77759 (+) Dm CG9245; range -499 to 100.

GGTTACTTCGGGTGCGCTACTTGTGCATTATATTTTCGCTGTATTGTGTTTTATTAT
TATTTGTGAAAACCTTATCGCGGGCGGTGTACCATGCCATGTCCCGCTGAGGAATATAC
TAGCTTAGAAGCGGTATGCAAAGATCCATTTACACTGCTCAACGGCAGCGAAAATGTATC
AAAACGGCAGCGAAATCGCTGTCAAACTCATTTAACAAGCAACTACACTAGTTGCCCGG
TTTTGGTAGCTCATGTTAATAATCTAGTGACCTTTAATTTGTATTTGATACATTTAAAAT
GATATACTAATTACTAAATTTCTATTGGAAGAGAAAAATAGAACTAGAAACAGATGTGT
GTCAGTGGAACCATCTGAAATCTTGTGGCCAGTATAGTTCGGTATTTTCTCTCAAGTC
TTTGTGTTGTTTTTCCAAAGTCCACGCTGCGGTACACCCAGATACAGCAAATCTGTTTC
CACTGTTTTTCTGCAGCACTTTTGGCATTTAATTGGATAAAAAACAAGCCGCAAAGCTAG
AAGATCGCAAAATAAACGAAAAACCAAAGTGGCGAAACAAAATGACAATTGCCGAGCAGC
>EP77760 (+) Dm BETA5; range -499 to 100.

TGGGAGTTACCAAAAGCGATCAAATAAGGACTCGTAATTTGAAATACAACCTTTTTGAG
GGTAGATTAAATGTCTTTTCATTATAACACATTGATAAAACATGTATGGTTTCTTAAATGT
TCAACACTATTACAGTAAATTTCTAGACCTGAAAACAGGTTTAAAGTGCGCCTAGGTTT
TCTCGATTCCCGACTTACTTTTCACTAATTTTAAATCCCGTCTTTGGACCGCAATTTACG
CATTGCAATTCGCCACTCTCACGTATTTACACATGTTTACTTTGACTATTGTTCAGTAC
CCGACTTTGCAGTATTTGGCCATTGATGGATTGATGGAACGCCAGAGTTAATTTGGCTT
CAAGCCAGGCCATAAAAGAGACTAAAAGAAAGCCAATCACAGGCAAAATTTGGCAACAGGT
TTCGAGCTGGGTTGCCGTACCTGCGACAGTAACGGTGAAGCCGATAGTCTGCATTATTG
CTCCAACAGAAGTACGGTCACTCTACAAGTAGGCAACGAATTTTGTGTCATCGGCATT
TCGCATTCAACGTTTCCAATTGTTTTTTAAGGAGCTTTAAGAATGGCTTTAGCTGAAATC
>EP77761 (+) Dm CYT-B5; range -499 to 100.

AATGAAATGGTCTGCCCAAAATAAATTTGCTTACGAATTTGTTTGTACATTTCAATTTGA
ATCGTTTATTTCACTAAAGGGTTTTCTCACATTTCAAATTTGGGCGCCAAAATTAATGAGG
TGCTTTGGAGCACTGGTCTTATCGCGCCCAAAAGTATGCAGTATTCTTTACATGTCGATG
GTAAATAGCCGTGATCCACTATACAATCGCATCGCATAACCACCGCTCCAAATCCGATA
TATTGTGATTGGGTGCTGTAAACAAATTATAAGCTAGATAAAATAAGTTATAAGCTATTA
TATATTATAATAAAATATGTGCTCATACCACAAACAATCTGGCTAGTCTAAACGGTCACT
ATTCGATATCGATAGGCGTTGGTGTAACAAAGCCATCTTGCTGCGCGCCAGTGTGACCGC
CGGCCACCAGTTCTGTGAGACCGTGCGCCCTGGAGGAAGAGTGCGAGGCTGGACAAATAG
TTTTTCCGTGACACAAATCAAACGCGCAGTAGAAATCAACAAGTGATCACCATGTGAGC
GAGGAAACAAAGACTTTACGCGGGCCGAGGTGCGCAAGCACAAACGAAACAAAGGACACC
>EP77762 (+) Dm CG16708; range -499 to 100.

TCTAGGAGTATGACCTTGAGCAGTTGTTGTCTTCTGCAAATTGACAAAATGGCTATAT
TGGCCACCAACCAATTTTGAACCCGACTGAACTCATAGCTGAACTACTTTACCTGGAAGA
AGTCCGGAGTCCCGACATCGACACAAGGACCAACCGTAACCCGCTGGAGACTCCCGCCA
ACACGGTGTCATTGGTGACCGTTGAGCAATTGCTGCAAGCTGCGCAGCTAATGTTGTTGG
TTATCTGGCGGCTGCAGTAGAGTTTTGGGATGATGTGGATGCTGGGATGAGTGATTTGAT
CCTGGGGAGTAGTGATTAGTAGTGTAGTATTTAATGGTGAGAAAACCTAAAAAAAATA
TCGGGCACAGTTATTTTTGGGTGAAGATGCCGTTAATTTAAGGTAGCCCTAGTTCTCGC
CAGACTTGAGAAATACCCAGACCAAACTATGTGGTATTTCAATCAAGTCAGGTGGTCTGC
CTCGTATTTTCCACAGTTATATGTACGGTCACACTGGCGAGCGGACGTACACTTCGCTTC
GATTTGTCCGCTGTGTTTTTTGTAACGGCCACGGAAGTGCAATTTCTGGTGTTCTCGTAA
>EP77763 (+) Dm CG8479; range -499 to 100.

CGCGAGAATATTTAAATTTAGTGGTAGCGTAATTGTTTTGTCTGTCGTCATTACGCT
TAAATTATTCTAAATATATTAATTTATGTTAATTATAAGTCTAATCACTCAATGCAATAT
TTAGTGAAAATACATTAATGCCCATATGACAATTGACTAAAAAGGTTATTTGTTTTCTTT
TTAACAAATTGTGACGAATTTAAATGGAATGAACTCGCAACTCGCACAATCTAAAATTG
GCAATTCAAATGTTTGGCGCCAACTACAGTGTGTACACACCACAAATGTTGTAGAGTAGG
TAAAGGAAATAAAGCAATAAACATTTAACTACTTAAAGCTCTTAAGATGTAGTTAAGCAA
TGATGGATGTCACCAAGCAATTTTTTTTTTATTGTAAGAAAAATATACAATATACAAAAAT
ATATTCTTTTATTTTACAAAATGATGCGTGTAATAATACATTGTACCTAATGCAGGTACCC
CAAACGAGTACAAGCCACCCTTTTCAACTCTGGTCACACAGAGCACATCCCGTAAAGTTT
TTCAGAGATGAGTTTGGCGCAGGAAAATTGAATTATTCACGGAAATAAACAAAGTAACT
>EP77764 (+) Dm MAPMODULIN; range -499 to 100.

TTTCGCGCTTTTCGAGGGCTAATTAAGGCGTTTCGTCCTTCGAAACGGTAATCCTATATA
TCCTCGATTACAGCGACCCTGTCTTGAGCATCGCATTACCGACGGATGCACGCGCTTCTG
ATTATGCCGATTATTGCTAACGGCGTCATTTAGTCTTAATAGGTATTTTGAAATGTGAT
TAACGCTCCCGTCCGTGATAAGCGCTTTAACGTGTGCTTATTACAAATTAATAGTGGTA
TACTATTTGGTTTTAGTGCAAGAAGGAAGTTCTTAAATTAATACATTTGAATTTGGCGC

TCAAAAAGCAGACTGGTACAAAATTACAGCATCTAACGGTCGCACTTTAGCGAATACATG
CACCTATCGTAGCAGGTACCCACTACCTTCCAAGCTAGTTCGCTCTCTCAACCCAAATTG
CCATCACTACTAGACAAAATCAATCGATATATGCAGGGGATAGTATAGGAGGTATCGAAC
AATCATCAACTGAAGTGCCAGCTCTAGCGTTTTGCTTTGGTTGAAAATACAATTAATAAAT
TGATTCTGAAGTATTTAAATATTCTGCATCGCCAGGTGAGTGCGTGTGCCAGCATTGGC
>EP77765 (+) Dm CG10433; range -499 to 100.

TAACAGAAGAGCTCTCTATACTAAATCATCATTATGCATTCTGTTTCATATGCATATCAC
CGCTGCTGTAAAACGAATAATCTTTACATTACTATTTTTTTTCCAGTGTAGAAACGCGTT
TATAGATGTTAAATATTAACCACTGATAAGTACAAGCTAATAACAACAATAATCGTAACA
ACGCGCTCTGGTTTTCTCCGTGTGCACTCAAGAGCGTTGCTGATTGAAGCGGATGAAGCC
GAAGCCGATCGGAGTTGGTCAATTTCTAAACTCTCTCACGGTCTTCAATTGAACGGCAC
TTCCTCGACTTCCTCCCGTCGCCCCGCCCCCTTTCACACTCTACGTCCAATCTTCCGCTC
GCTCCGCTCTCTTTCTCTTCTCCGCGTCTAGTTGTGCAAAAACGCTCGCTCTTTCTCCCT
CTCGCGCTGTTGCTCTCCCGTCTCCGTCGGCAAAGTAATTTTTCGTTGAAAAGCCTCTGT
GGCGTAATTAGCTGGGATCAGTTCAACGCAAACCGCGCCATCGAGAGGAAGTGGATTACT
GCTGCTGCCAAGCTGCCAGAGTGAAGTGCATTGAAAGCAGAGCGAATCAGAACGAAATTC
>EP77766 (+) Dm CG11015; range -499 to 100.

TTTCTGGGATACTGACTGTTCCCAATTCCAATTGACCTTCAATTTGCGATGCATCATTTT
GTAGTTGTCCGATATTTGAAATCGTTCAATTTTTTGTATGTATCAAAGCAGATTACCGGCTT
GCTTGACATTTTTCATGCAGATTCAATAAACTTTTTAATAAAATTTTTTGTTTTACATT
TGGTTGCCCGGCAACGCAGTGGCGCCCTCTGTGGTTTCGATACCAGTGTCCGCGGTG
TTTTCCAACACTTAAGTTCGGTTGATTGTTGCACACTGTAGGGTGACCGTTGTACATTAA
TTTTTTAAATGTGGTATATCGGTTGCTAACAAAAATATATGTTTATTATTATTTAAGAA
CTTTATTGTTTAAAGCTAGAGTTTATTTCCCAATTATTACGACGAATAACAATAGGACACT
TTGTTTGTGTTTTATTTGGTCTACTCAAGCATTTGAAAGTATCAATATCATATTTCTGCA
GCGTGTGGTATTTTTCTTACTTTACCGCGGTACACTGATCCATAGCTGTGTGAAAAAT
TACGAAAGAATTTTTGGTGTTCACCACTTAAGACCGACCGAAATTTTCGCAAAACGAACA
>EP77767 (+) Dm CG9184; range -499 to 100.

AAACTCAACGATAATAACAATAAGTTCAAGGGCACATATTTCCAAAAATTTGTTGCCAAC
TCAAGAGCTTTGCTGAATATTTTTTGTTCAGTGGCATGACCAACCTTCATCTGCATTCA
AATGTCGTATATATCAAGCAGCAATATCGCGGGATATTGAACTCTTCGAATTCATTGG
AAAAATGCAGGGCTGGCAGAACGATCATGGAAGTGAATGAGAAGTGGAAAGATCCCA
AAGCCCCCTACAAGCATTTATATCATATGCAAAATTAATGAGCGCAGTTATTAGAAGGTG
TTGATCGATCCGAGATCGAGATCGAGTTCGAGCTGGAGCTGGAGCTGGGGATGGAGATGG
AGATGGACACAGAAGAAAGAAAGGCATCCCAAATTTGGGCCACTGCATGGGTTATTCTAA
TGAGGAAACCGGAACGAGATCCACACATCTCATCACAGATGCACCGCGTATAAAAGGG
CAATGCAACTGGAGTGGTCAGGTTATTCCGAGAGAGATCATGGATCGGAGAGTGACTGCG
ATTGGTTTGGGTGAGTACGGACGATCGGCTGCCTAGAAAGAGTGACACATCCTTTTCAGT
>EP77768 (+) Dm CYP6D5; range -499 to 100.

GATGAATAAGAGTTATGTGTATGTGTAAGTGAATGGCACAAAGTGACATTATAAATTCCTT
AGATGTAGTCAGTGTAGATCAATGCATGTAAGTTCTCAATTCCGATACGCCATCAAGA
ATATATGTATAGAAAGAAAAGTACTCCATCATTATCTCGAAACGATTTGCCGTATCGCCA
GCGCAACGTTGGCTAGATGGGTCAAAAGAAAATGCTACCTACCAATATAATAACGATTTG
TCGGCACTTTTTTGCCGCCGCTGAGAACTAGAACTTGTCTGTGCACACTGAGAAAGCA
TTGTACGATAATCTCATTGCGAGGAATCCTCCAGCCAACAGCAAACATATATACTGATCG
AGCTACACTATAAGGGAATCGCTCGACTCGAGTGGATTTGTTTACGCCCGAGCCCAAAGA
TACGGTAATCACCCAGCGATATGGCGAAATGTTTGCCAACCTAACGACTATAAATCGG
CAGTGGACTACGACTAGTCAGTTGCGTTGTAGACCGCTAGAAGTGGGACATAGTAAACA
GTATAGATTCAATATGATCGGAATATATTTGCTGATCGCTGCAGTCACGCTGCTATATGT
>EP77769 (+) Dm CG10082; range -499 to 100.

TCCGAGAAAAATCAGTTGGGAAATAAGAAAACTTATTTTTGAGCTGGGAAAAAGAACCACT
ATCTCGAAGAAGAGCGCAGCACCCACAGAGAAAAAGAAGAGAAAAAGAGGGTGCGTGGGA
AAAGAGAACTTATGCGCGTAGAAAACTCTTGGTCGTTAGTGTAGAAAAATATGATCATA
ATTTATAAATTTAATCGATTTGTGTGGGTGCCATCCAAGTTTAAATACTTCAAGCCTTC
AATATGTTCAAATTCGTTCTTAATATGTTAAGCATAGTATTTTATTACGATTTTAAATA
AGCTGAATTCACCCACAACGCGGTTTTCTTCAAGTGTCAAAAAGTATCTGGAGAGCGC
ATCGGATCTACTATCTGACTCGCTCGCACTCCACAGACAGCCGATGCGCGGGCGAACAA
GTGTGCGAGGTGCCAGCGGTCTCCCGCTCTAATCATCGTACCGTGTACCTCTTTCTCGGA
AACGTCGCTCGCGTCGTTCAATCGTTTTACAACTTCGCTCGGAACGGACGTGTGCGCGC
TCTGAAAGGAAAAAGTGAAAAAGTGTGTGACAAAGTGCAATAAGCCACAACGCGCATGT
>EP77770 (+) Dm CG30404; range -499 to 100.

CAGCACGCAGCGTGTGTTAACAGTGGTTTAGTGGGCACTTTAAAGACAATTTAAATGTA
TTCAAGGTTAATTATTTTAAAGTATTAAGTACTTGTACTTATTTTTACATTCCTTAA
ACATTAATCGAACCATAACCAATGCGCAAGTATTATAAATCGATAGAAAACTTTTTGGAGT
ATTTGATCTTTGCAAGACTAACAGTACTCATTTTATTTACATATGTAGGTTATAAAGAC

CAAAGTTGTCGCTTAAATCGAGTTGTAAATTTATTTGTTCAAGACAGAAGAATACCGCAAA
CTTTTCAAGAAACAAAAACATATTAATAAAATGAATCAAAACAACGAAATAACTTCTTA
AATACCTAGTTTTCTACTGATATTGAGGTAGATAATTAATTTGGCTAAAAAGGAGCTAGA
GTGCCGATCTGTAGAGTGGAAGTAGAGTGACTGTCATTCTGGTATTATTTAGCACATT
CTATATCAATCTCTCACACACATAACAAAAGGCAGGAGAAAAATTGTAAATTATTACGG
ATTTCTCGGACATTTTTCTGTCATTTCCCGAGCAATGTAAGTAGAAAGCATTGAAAAAC
>EP77771 (+) Dm NHE3; range -499 to 100.

GCCAATTACTTAACATTCTTTTTGAAACGAGCGCTAGGTGGCGCCTTTGTCAGGTCATAC
TCTTGTGGCTAGGGCAGGGTAACGGTTATCGATAACCGGAAACTGCACCTGCCCGTTTA
CTGTTTTCCCGAATAATTACCGATGGAGGAACGGCGGAATTCTAAACATGGGGAATTTT
TTATTTATTTTTTTTTTTTTTGAATGTATAGAGGAATCGTGAAAAATAGCAATGATACGAA
CTTACAGATCTAACTATGTCGGTGGGACACGGAGAGACTGGTGGCGGGGACTAGTACTAG
ACGACGGGAAAGAAAATTAATAAATGAAAAGGCTAATTTGACGCAATTTCCCGAATAATA
GTTTTACTTGGAAAATAGTTTGGGATTATTGCAAGTTTGTATTTACATAACTATTATA
TTGAATACAAATATCTTTACTGAACCGCTCCTGTTCAAAGGCAATATTTTTTCGCGTGCT
AGCGTGCGGTACACTGCAGTCGCATACGGTTGTTTCCATATGAACGAACAACTGTTTT
TTTAGCGGAGTGCCTGTGTGAAATTTGAAAGCTTTTTGGACCCTTAATTTTATG
>EP77772 (+) Dm EIF5; range -499 to 100.

CTGTAAGAATATCGATAAGTATTCCATAAAATGCAATTTATATTTGCTAGTGAAAACGTG
GACAATCGATATCTTACCCGTAGTTACATTCTAGTGCTTACTACTGCGAGTTGGGTATC
GATACTATTTAAATGTGGCTCTTGAAATAATATTTTAAACATTTTTTCAATAAAATAAA
TAAGATATCCTCTACAAAAATGTGGTATATTGGTATTGGAATATAGAAGAAATACAGAT
GATCCACTCTTATAACATATATTTTAAAGGCTGATTGGAACACGTTTAATTATATAAC
ACATATATTTGTTTCTATTTTAGTCAACTTCATTTTTAAAAATGGTCTTTCGTTTTTAAG
CGTATTATTACATATCTTCATTTTAATAAATACCATATAAATTATATAAAAGTGAAAGTG
TGAAAAGGCTAAATTCATTACATCATATTCGGCCAATCGATAGTGATAGGCTGCAGCC
CACTAAAGTCGTTATGGTCATATTGTGCTGTGACGTTTAGTCGTATGTTCTGGACTTCG
GAGAAAATCTTTTCTTAAACGGTTAATTCAGTAAATTTATTAATTTACTTTTCATTGTGAT
>EP77773 (+) Dm HOMER; range -499 to 100.

AGCTAAATTATATGCAATATTATTGCCGATCAGGAGTTGCCATTTGACCTATCGTCAAG
TATTAGAAAAATGTGTACTAAAACTAATGCTGCCACACCGCACAAAAGAAAACCATATCTA
ACAAATATTCAAACTACATGTAGGCGCACAACTAGACAGTCAAAAAAACTTATCACTTTT
ATCTGAAATTTATTTGTAACTTCCGTCATTTAAATGCAATGCTTCAACAGCTACACATGT
TTTTGAAAAAATTACATTTGTTATGGTGCCTTACAGACAAACATATTTAGTATTTATTTAT
CTTAATTAATTTGCAATTCGCTTTACAGCGATTAAATTATTCGATAAGAATCATTGCTCT
TATACGAGCTCATGTGTTATCGATGCTTGGGAAGCTAATAAATAAATCATCGATGGTGTG
AGCCAGTAAAAACATCGATAGCACCATACAAAACATCGATTTTGGTTCCAGCTCTAGACAT
TTGTGTTTTATTTTTTTAAACCGTGAATTCATAAGTAAAACCGACTAGCATTGGTATAA
ACTGCTGCGGAAGCACTCAGTCAGCGCCAAAGAACGAATACAATGGGGTAAGACCGATGG
>EP77774 (+) Dm CG9153; range -499 to 100.

AGAAACCAGGGCGGCAAGCTATGCCAAAATCAGATGTTCTATATTAGCGGATACTTACCA
TGATAACGATTGCTCAGACAGAGAAAAAGTGATAGATAATTTTGTTAAAAAAGAAAAAAA
CCAAAATGCATTAACCTTTAAAAAAAATACTATGGCGTAAATTATTATTTGTCAACCTATT
GATATCTCTTTACAGTACTAGAAGCTTTTATAAATTTTATATTAACCTTTTACCTATCATC
ATTAATATTCGAAAGTACTCCCTAACATTAGTTACCTACGTATACATTTTTTATTAACC
AAAACCTATATGTAAAATCGCAAATTGTTTCTTTTTTCGGAAAAAATTGAGAAAACATTT
TGATATTCGTGTTTCAGCATAAGTTCTAGAGAATTATCCGATCTTAAGGTTTTTCAAAGCG
GATCTTAAAAGTCCGCAAGCGATGCAGCCCTAGCTTAAGCCCATTTGTCAGGGCTGCCAAC
GTGGGCAATGTGGCCCTATCCCAACCAGTTGGCATCGCCACCATTATTTATTGGTTTTTT
GTTGCTGGTTTTTGAGTTTTTATATTTTTTTTCTAGAAGGCCTAAATTTATAGAGCGTT
>EP77775 (+) Dm CG32135; range -499 to 100.

ATCCGATGATTACTCGATAGTCGATAAGGTTTCATATGCCATCTCCATTAACGTCGTGAG
GTTAACTGTGACTGGGAACAAATCTGCGGCATTCAAACAATGGTGTGATAGGTAGGAT
TCCAATCATATTTAAATCAAAATGTATGTAAATCTATTTAAAGGCATTAACAATGAAAA
TAAGAATATTAGAGATAATTTAATTTTAAATAAATTTACAAATCAAGTAAAGTTACA
AATCAGTCTGTATTATAAAAAACGTTTAATTAACATATAATCTTTAACAAGCGTGCATGCA
ATGATTTAGGTATTAAAGTTATCATTTTAAATTTATCTTCATATTTAAGTTGAAATTT
GCTAACTTTGCCAACAGCTGCAATAATTACTTTCACTTTTCGCTTTACAGTCACAAGATT
GACTCATCGGCTTAAAAATACCAAGTGAAGTGCACCGAATCGCGGATATCGCTCATCTCT
ATCAGCTTTGAGCAAAATTAGTATCTTGTATTGGCCAAACAGACAAGCGAGCGAAGGCCT
TTTTGTTGTCGTTTCTGGCAATGATTTAGGTCTTCATCAAGTGTTATTAAGCTAGGCATA
>EP77776 (+) Dm CG12074; range -499 to 100.

TTTTTTACGGGCGGCTGATATTCATAACTCTAAAGCTTCATCGGAAATGCCTATTAATGG
TCGGTAATGGGTCATTGTCTATAATTAACCGGAAGCGTGCTCTCATCAATTTTCGCATCA
CACACATACATGTTTAGGCTTTACAGCCCATTCAGCTTTTCACAAAATGGCCGCGTCATG

AGTATGATTAACGTGAATGGAAGTGAATCACAAATCTGCCAGAGACCATTGTCAACAGAG
AGAAATATAGGTAACGGTCCACGAATGGGCATAAACAAATAGGTTGGTAAATTTGGAGC
ACAGAGAAGAGAGTGAAGCTTCCCGAAAAAGCCAAGCGGGCCGAAGAAGGAATGCGTTAT
CGGTGCGTAGTATTCCATTGATAAGATATGCCTAGCTTTATCTGGCCGATAAGGCAATGT
TTCACAATCGAGTAGACGGCGACAGGTGAAGTGAAGTTTGGCAACGCCCGATCGGGCCG
TTAGAGTTAACTTAACCTCAGTCTTAGCTGAGCGGCTCGCTGCAACGAACGTGTTTTCT
GCCTGGTAATTAAGTTAAAATTGAAAATTGGTGACAAGTGATAAGAGAACTGATAAGCC
>EP77777 (+) Dm RAD23; range -499 to 100.

AAATTATATTTTTAGATTTCTTACGCTCTCAGCGGGAGTGAGCGGAAAGAGAGTAATTTT
GGCAGTCACCAAGAAGTGGCTGCATAGTGCCAAACCAATGTATGGCCGTACGCATCTT
GTTATTCTAGTGCTTTGGTTAAACTAAAGTATTTTTAAAGAAATACCGAACTACTTAAA
CGGAATTAATAAATTAAATTTCTTTGAAATTTATTGATCATCAACCGATGGTATATTATAA
ATAGACTTATATACTACAGGTATAACCTGTATATAGTATGATCTAAATCGTTGATATAAT
GAAATACTAACTACAGTCAAAACACGGACAATTGTTTATTTGTTACGTTTATTATGACTT
CAATATTTTCATATTTTATTATAAATTTTATTACAAATCTTTACATCTTTCTTGATGTGTG
AAAATGTTATAAGGACTATTGAACTCTTTGGTTTGTGCTGCGATTTTGTGTCTTTTAAGC
GAGAAGGTATAATTTGCCAGTCCATGTGCGGTACACTGATGACAAATCGTTTTTATCAA
GCGATATTGGGAACCTAACCTTTTCGAGTTTGCATATGTGTATGCATATGTATTTAATTAA
>EP77778 (+) Dm CG1572; range -499 to 100.

AAAAATGGTCATAAAAGTGCAGGAATGACTGTTTTGTGCAGCTAATTACCACTACTAACT
ATCTCTATCACTTTTTGATGGATTTTGAAAAATTAATTTTTGGGTCGATTTTCGCATTTT
TGGTAAGGGGTAAACATCATCAAAATTTGCGAAAAATGGCATAAAATTAATATTCCAAATT
TTAAACACAGTTTGAGTAGAATTTGAATACGAACCTAACGAGGTATAACAATCCATATT
TGGACCATTATTTTCGATTTTTTGGCCCAAAAAGCGACATTTTAAAAAATTGCAATGCA
TGTTTTGTACTACCAACCTAATTCGCTTGTGAAGTGTCTAAGTGATGCAGGGTATCCCC
CAAGTCGAGTCGAGTAAATCGGCCTGGAAGGCTTCTGCTGGGTCTTGTTTTGTTTTCGT
CTCGGCTGCGTCGACTGCGACGCTGAAAACGTGGCAGAGGCAGCGGGCCAAACGCTTTT
ATTTTTCAGTTTCGGTTTCAGTTTCGTTTGCAACGTGCGCGGAAAAGACGCAAAAGTCG
AAAGAAAAGTGCAGGAAAACCAAGTTGGCTGAGTCCTACGCCGAATTTTGAGAAAAGTAA
>EP77779 (+) Dm CG8055; range -499 to 100.

TCGTTCTTGATAAACTCCACTACGATGTCCTTTTCCGGCTGAATCTGCAGCATCTTGAGT
GTGAGGCAGAGGAAGTGGGTGGGCTTGATGTTGCCGCCGTAGACGCCTCCGACGAATCGC
AGCTCCATTGCCTTGCCACCAGGAGCTCCGAGTGAGAGCAAAGCATTGCTCCTTCCAG
TACTTAGAGTCGTATATCTCGAAGCGATGATCTTCTCGATGAGGTAAGTACTGCGGATTGGTG
CCGTGCACGTTTTTGGCCTCCTTACCCTGCGGTTGGCCATTTTCAAGTTGAACCTTGTT
CCTTGTCATCGTAACTCAAATAGGACTTTTCAATCCAGAAATTCGGGTATCTATTGGCA
GCAGTGCAAAATGTGAAAATGCACCGAATATATTTATTTATTTTTCGGCGTTTGCTAACC
AGAGTGGCCAGCTGCGTAAGGGAGAAATATGCCACTCCGCCAAGCGCATACACAAAGGCG
ATAACGATAGGGGACGGCAATCGGTATCGGGTGACGCATACGAACAACAGCTCCAGACA
ACCAAGAAACGCAATAGCAGAAAAAACTCACTTGTTTCGCTAAATTCGGGTGAAAAAACA
>EP77780 (+) Dm CG11796; range -499 to 100.

CATTGTTTGCGTTTTTGGGGGCTCGAAACTGGAATCAAGTTTAGTACGACTTGGCAACCG
ATTTTCGAACCTCACTAGACTTGACTTCATGAATATTTAGCTGAATTCTGACATGGGCCGA
ACTTTTGATAACGAACACATAGTTATCTGTATCTTCATGTAACGAGCTTAAGGAAGTGA
AATTTGCAACGAGAACTTGCAAAGCGCGCTCAGATACGAAGTAAACAGATTGGAGGCC
CGACCCGCATTACAATATTGCAATTCATTCGCTCGAGATTGCATTAATTAAGTAATCCA
CCTGTTCTAGTAAACAAATCCATGCAGGTTTAGCTTAAATATGCGATCAATAACCAGCTA
GCTAAGATATTCCGATAATATGGCATTGCAAAATAACAAAATACTAGTTTGGCTTATATT
TAAATTAGTACAGGATTTTCACTTGACCTACCTACCTGAGCGCCCTATAAAAAGCCTCCG
ACTGGCTGAGCTCAGGCCATTAATCAATTTGAAGATCGTGAAGATCGACGGAACGAAGAA
ATCTATATCGCGTGCGAGGAGAGGATTTGCATAAATTGAGTCTGAGTGATAATGGTAAAT
>EP77781 (+) Dm CG4390; range -499 to 100.

TTGGCGGTAAATTAAGTTCTACCAGATTCATCACTGCTGGTTTCCTTTTTGCGACGAA
TTCCAGCTCCCTTCTTGAGGTTCCGCTTCTTGAAGCCAAAGGACGAGGTGCTAGCCGCTT
CTTCCGACATTCTCCGGCTTTTAAATTTATGTACTTATCTAGTAATTCACGTTAACAACA
ATTAACAATAGCAATTTCCGCAACTGGCGCTTCTTCTCCCGCTAGTGATGGTACTTGC
GTAACAATCGTTATGGAGTTAGTATTTTTGTATGAAACGGGCACATTAATTAATCAATGTT
TACTTATGAGGAATATATTCGTTTGAATAATTGCAATTTTACATATTTAATACATCAT
CAATATGTAATAATTAATAGATTTATATTAATTTAAAGAATTCTAGAAAAATTAATCTCC
TATGGGATCTACCCTTTTAAATCATCGATACCAAGATGTTCTGAAAGCTTCCCACTTTTGG
CGCTCTACACGCGGTACACTGTTTTCTTATCGCTTGTTATTTTTAGATCGTCAAAAAAC
AAGTGCGTTTTTAAAAATTAATGGATTTTCAAGTTTTCAGTTTACAAATATTTTACTCCGTTT
>EP77782 (+) Dm CG12065; range -499 to 100.

TCACCTCAGATGAAACCTCCGATGAAGATAAATCCAGCAGGCTTGAAAGCCGAAGGGAC
TTTATATTCGTTTCATGCTTGTTCATACGTTTATATCGTGTATTAGAATCTCCGAAGCA

ACATGTTTTGCCTGTGCTATGTAACCAAAGTGGCCCTGTATTGCGCCAATTATTTATTT
TTCAAAAAATGTGTAACATATTAAATATGTACATATGTATATATACACAGAGTTGTCAA
AAATATTTACACAACGAGCTTTTTTTCAATTAGTTGACAATTGAAAAAAAAGCTCGTCG
TGTAATACTCTGTAAATATTTTGTTCATTGCGTTTTAAAAAGCTGTTGTAAGCTTCGAT
TTGTACCAAAAAGCTTTTGTGTAGTGTAAACCGAGCATCAGCGCGTGAGCTTTTCGGTAT
TCACGCTGCACTGACGGATGGTCACACTATGCGCGGCATTTGGCATTTTTGGCCGCGCAA
CCGAAAGCCGAATCTGGTCAGTTGAAAAGCGAACTTTGAACAAAACGGACTTTGAAAAGG
GTTTCCATCCATCAACATCTATCCCCGTGTTTTCATTTTTGTTTTTGGCCGCGCATTTTGGCG
>EP77783 (+) Dm CG17739; range -499 to 100.

GAGGTGGACGACATTGACACCCAGCCCAGCATCGTGGATCCGTGCTGTGCCTGTGACGAG
GCCAAATATGAGGTGGGACTCTTTAACTCATTATTGAAATGGTATTAACACCTCCTTAC
TTCAGCTTACCTTCAAGGCAAGTGGTCGCGTCACACACATCCCAAGGACTTTCCAGCGA
ATAGCTGGCGCACCAGATTGAGCGATATCATTGGTGCCTCGCACACTGGACTACAGAT
TCTGGCAGTATGGAGAGCTGGCCAGCGAGGGGCTGCGTGAGGTGGCGGAGCATGGCTCCA
CAAGGACCTTGGAGAGTGAGCTGAAGGATCAGAGCGAACACATTGCGACGATCATCAAGG
CAAGGGGCATTGCGTATCCGAATGTTACGGGCAAAACATTTGCCGTTTTTTCGCGTCGACT
CCAACCACCATTTGATCTCCCTCGTATCAATGGTGGATCCCTCTCCAGACTGGATCGTTG
GTGTATCCGGCCTCGAGCTATGTCTGCCCAACTGTTCTGGGTGGAGAACAAGGTGCACA
ACCTATATCCCTGGGATGCGGGCACCAGATAGTGGTCCATCATATATGGTAAGACGATTTT
>EP77784 (+) Dm CG7725; range -499 to 100.

TGATGGAATTCTTTTTGTTATTACTGCACTTTGAGTCATCATCGTTTAATTTTTTGCTAAT
TTTCGCTCTTTTTCAACATTTAAATGATATAACAGCGATAAGCTAACAGCTCACTGTTAC
GCCAAGCAGTACTTCAAGCAGTGATCCCAAGGCTGTTGACTGAATGCTTTTGTTTTTATA
AAAATACTATTTTGAAGATTTTATATTAGACTTAACTTGATTTGAAACAACGCGGTTT
TTTTAAGAACTTTAGTTAAGAAATATTGTTTTCGCACTTTGTGGTTTATTGTGATTGTA
AGTGAGCACTTAGAGAAGCATATGATAACCCAAATATTTGAGCTCGATGACAATATCCGC
TTAGAACAATTGTTCTCAACAGACGATCAATAAATTTTGAATAACGCGCCCATGGCGACC
AGTTTAGTATTAAGCGGTATTTTTGTAGGATTTTGCCTGTTTGCCTGCTGCGCA
CCTGGCAACCCTGCCGTTCAATTAACAACAACAACCTGAAATAAAAACAAAATTACAGCG
CTCACAATACAAATTGCTGGCGTTGCTGCAGCGGAAAGCGGACATAAGCGCAGATTCTTA
>EP77785 (+) Dm CG7433; range -499 to 100.

TTTTAATTTTAAATTTTACCCTTTTTGAAGATATTTTGTGATAACTCCAGAGTAGATTT
TATTATGGCATAATGCATGTTGAGAATTTGGTCAAGGCCATTGTTGTTAAAATATTTG
TTATAATTTTGTGTTTTGAAAAATAAGATATGCTTAATGTGAAAAAGAAAAATATATAGAAA
ATGCTAATACTATGATATATAATCTTCATTCAATAGGAGACCATGGAGCCCCGAGAGC
AAAATATGGTTTGGTTTTTTTTTCACTTTTCTGTTTACTTTCACTGCAGAAATATGTAATTG
ACGCAGAACCATGATGATTCCAAAAGTTAAATTGATAAAATCCGAAGTGGGAGAATGTGG
TTGTGCTTAAGAATATGGATAGGTGTATATGCCCGCATACATAAAAGCCTCTATGTTTGT
ATTCTGTAAATATACGTTTTCTTTATTAACCTAAGTATTAGTGGCCAGCAACGAGCCCT
CCTATTGAGCAATTCCTTCACTTAACCCCGGAGCACTCAAATCGACGTAACCATGCGGA
GCTTGTGGCTAAATACGTTGACCAAGCAGAGTAAGCTAATGAAAATCCTTAAGCTCCAGC
>EP77786 (+) Dm RGA; range -499 to 100.

CGACTCGAACCGGATGAACCTACATACATATGTGAACAGTGTAATATTAGTTACTCAGG
CCTGGACTTAGCCATTAGCCACTCACCCTGTCGTCGTCGAGTTTTGGCTGCCATAAT
GCCAAGTAAATTTGTTTAAATCGGAAAACTGCAATCAAGACAATTCGCGGCCGGGCA
ATAAAGTTGAGTTTAGGAGGTCTAGGCACTGTACAGTAATCGATAACTGAAATACGCAA
AGAGGTCTTCGCATAGACGCCCCAGATGGCAGCCCAATAACTGTTTTTGTCTATCGATTA
AAAGTAAACAATATTTTACCAATCGCAAAGGCGAATAAAATTGTTGTCTTTAAAGAAAA
CAATTGCAATATTTCTTTGAAATACAGTAATCAATGCACCAAAACCCTCTCGTTGCAAAAC
TAACCTACTATCGATACCAACCGCTGTCTCGATAGCAGATTTTACATCCCTAATTTCTGTG
TGTTTGTATTCTGTACAGCCACAAAGTTTTTTCGGAACATTTTTTGTGTACAATTTAAA
GCCATTTTCGGGCGCTAAAGAATTGTTTACTGCCCCTCGATAGTGGATCGTAAGGACCCGG
>EP77787 (+) Dm CG8112; range -499 to 100.

TGTCGCCGTGCGTTTGGCAGTGGAGTCCGATCCACGAAGAGAGTGACGAAGAGAACCGA
AAGCAGGGGAGTAGACTTCATGCTAAATAGCTATAAATACTATAGCTTAGAAAATAAACT
GGTTGTTGACTCTTTTGAATATATAGTGTATTTAATATATGAACAAATTTTATAAAATA
CTCATAATTTTATCAAGTTCTTAAAGCTCAACTCAATCATTAATACTAGATTATAAATA
ATAATCAAATTAATTTTAGTAGATTATTCATTTAATATTTTAAATATTTTTTTTAAATAT
TTATTATGATTTATTATAATAATATATTTAATATAAATGTTTATTATAGTTATATATTTA
ATATAAATATTCATTATAATTATACATTTAATAGGAATATTTTTTTGATCCCCCTTAGCG
GCGCCCCGTGCTGATAAGTCAGCAAAGCGCCGTTATCGTCGCGGATTTGAAAACAACACAG
CCGCAACGAGCGACGCTACATTGTGCGAACTGACGTCCCGGGGGCAGTCGCTGCTGTAA
AATCCACCAGTTGGATAGGATTGACATTAACACCAAAGGAACAGTTTCACTAGCAGAAGC
>EP77788 (+) Dm CG3983; range -499 to 100.

GTGTTGTTGGGTGAAACGCGAATGTTGCAGATGGGCAGCTCGTTGAAGGGTATTCCATTG

AATAACGTGTTGGCGGTGCTGGCATCCGGGAAAAAAGCTTAGCCTTGCTAAATGGAAAAATTA
ATTGAATTCAAGACTATTTACAAATGTAAAATTGAATTCACCGGTTGATAAGTGTGTC
GATGTCCACGGTCTTTTCGCCACGGTTCCTTCGTCTTTGGCCGGTAAAGATGCCAGCAT
TTCCTTGCGTCTCCGCCTTCGCCAGCAAGCGCTCGTGTATCCTAGAAGTCTGGAG
CGGCACAGCGGGCATAGTAATACTCCGAAGAGCACTTAGAAATACACTTTTCAGTGACAT
TATTAATTTACTTCGCAGAGGGTTCACAAAAACCAATTACATCACACTGCCAGTCTGGC
AACACTGGCAGTGTGGCTAGCACGCCACAACAAGTGGCCACGCTTCGTGGTGACTGACA
AAAAGTCAAGAAGAAGACTATTTTCACGTGTTCTTGTTTTAAGTTGGTTTTGATTCCGGT
TATCCTCGTGTAATGGCTTTAAAAAGGTTGAAGAGTAAGTAATAGTATATATGTATAT
>EP77789 (+) Dm CG5171; range -499 to 100.

TGTGCCCCCAAATCGCGTTGACATCGTGGTGGAGGCATGTCAAGTAGGGTTAGGGATAGGG
ATAGGAATAGGGATAAGGAGGTTGGGGGAATCGTCCTTAGGTTACCTCCTGCAGGGACAC
GCTTATCGGCACGTCAAAGGGATTTGGCAAGGACAAACGCGAGTACATAACCAGATTTGC
ATGCTCATTGCTAATTAACGACGAGTCCCGGCAAAGCAGAGGGACGGGTGTCCTCACTG
GGTAGTGGGTGGAATTTATGAATTTTGGTTGCTGTTTTATTGCCCTCCAATGTGAAGT
TACGACCCGGGGAGAAGGAGGCAATGCACGACCGTACACGAAGGCAACGCATGATGCAC
TGAATCGGCGAGTCTGTTGAATTCGGCGGGCGTGGGTGGCGTACTGCCTTTGTTAAAAGC
ACAAAAACCCGGCGACAAATTTGTTTGAAGAAATCACCGCGACGGATCATTATAAAAGT
CAGCTGCCGGAGAAGTAGCAAGTCAAACCGCCTTGAGATCCATCAGGGATAGGTGTGCA
TAGCCGCTCGAGAAGTTCCAAGTACCCGGCTACCTTAAGGTGACTTGATCTTTTGAAGT
>EP77790 (+) Dm BCDNA GH05095; range -499 to 100.

TGCAAGTACACGAGAGAAACAACAAAAACGAAATAAAAGCACTCAAAGCTGTGTCTAA
GTTTTTAAAGTAAGCCAAACAACACAAACGTTTTACATAATTGCCCCAGTGCCAAAAGCG
GCAGCCACAACAAAAACAACGAAGAAGAAAAACAACGGCGTTGCAAGGGGGAAAACTCTCG
ATTGAAAGAAGAAGCAGAGGAGGCAGAACAAGAAGGCGGAGAAGACTACCCGAAAAGAGC
GGCAGCCGAAAACCGCAAAGACACATGCTCAGATACCGTCTCGTGCTCACTCACTTCCTC
AAGCAGCCGTAGTGTGCGAGCGAGCGAGACAGCCACACCCGTAGAGGGGGGACCGAGAAC
GAGCACGAGAGCGAGAGAGTGTGGGTGTAAGTGCATGCACTTGCAACTGCAATTGAGA
GAGAGAGAGTGACAGCGAGAGCGAGCGATCGCAGGATACGATTGTGCTATAAAAGTGC
CAGGTGCGCTCTACCTGCCCATTCACCGTTAGTCGTGCTCGGTAATCATTAGTTGTG
AGAGTTCCTCTTACATCCGAGAAAGAGGCAGGATCAAGGAGCGTACTAAAGAAAAGGGG
>EP77791 (+) Dm CG5625; range -499 to 100.

CCGACCCAGCCACATTCGGAGATGCGCCCGCTGCGGATTCTGTGTAATAACGCCAG
CAAAGTGGCCAAAGACGTGCGCCCTCAAGGCGTGGTTTAGTAAGTGGCTGCACTGCCACTG
TGGGGGCTTTTGAAGCAGGTTCACTAGTAAATCTATGTGAGCAATGACCTTAGTTATTA
AGTATGATTTAAGCTTCAAATAAAAGTACATGATTGCCAGCAATTTTAGTGAAATCAAGA
AATTTAATATACTAAATATATTTCTTCTTGCACGACGTGCTCGTTCAAAAACTTAAGC
CACAGAGAAGTCAACACCATACTTCACTATTTCAAACTAAATTTATTTGAATAAAATAT
ATTTTTTAATCTATCTATGAATTGTGGTTGGTGTATTTGCTAACGGTTTGATATTAACA
ACAACAACATATCGAAGAAGTTCATCACTAGCATGTCAATCGATATCAGGACGTCCAAT
GTGTCTGTGCGCTGTCGGCAATCGATATCTCTCTGCAATAGATATTTTCAGAATAATT
GGCTTATTTCACTTCGCCCTAACGCTGCAGTAATGGTAAGTGCATCGAGGTGCAACCTGT
>EP77792 (+) Dm BG DS01219; range -499 to 100.

AATTAATGTCAGATGATAAAATTACGTTTGAGAGTTTTATTTTGTTCCTTTTTTGT
ACAATGCAAGTTCTAATATTTTCGGAGCACAGCTGTTTATACTAATATTTCTCCTCG
TGACAGGTGCCAATGCTATTTCTGCCCGGCTGATTAAAGTATATAATTTGCCGCTCGGCT
GTGAATTTAGTGTGAGGCCAGGCCAAGATGAACCAAGTTGCGGTTGGAAAGTGTGGCAG
CCTAGAGTCCGACAAGTCCCTGATCAGGAATAGCCCTGGCGATATAGCCCAAGTTCCT
GTCGGATTTTTGATATTTTTATTTTAAATTTTTTTTTTTGATTTTCTGACTTTCCGA
CATGACTGCTTTCATAAATTCACATCACTTAAGCCTGCAATTAGCGGTGAGCAAAAAAGC
TCCCATCGCTTTGGAGCTTTGGCGCTCTGTTGCTCTCTTTGGGAAGTTTTGTCTTTTG
CTCACCGCTCTCGGCGTTCAGTTGATCGACGGCAAGCTCTGAAACGGACGCAGATTTT
GTAAGTCCGCGCGCGCTGCGCATTTTAAATCAGTTGCAACAAAAAACAACGAGAGGC
>EP77793 (+) Dm CG2493; range -499 to 100.

AGGCCTCATGAAATATTTTATTTTATCACTATAAATATTATTTTAAATTTTCCGACT
TACTCACTACTATTTTAAATGCATGGCGAAATCGAACTCAAATCAAATCAAATAGGG
GGAAATGACAGGTGCTTTGCTGAAAATTATCGAGAGTTAGTGCAGTGTGGTAAGTACT
TATTTGAAGAAGCTTAATGGGCATCGGTTTGTGTTTTTAACTTTTGGCGATTAAAAAG
AAGGTTTTAAATATAAGACGTTGTTAAGATGATTCGGCACACTAAGATCAAACAATGTT
TGTTTTCTAACAAGATATGATGAGTTCAAATGAATCTCACTTAATCTTCATTACCTT
TACCAATGAGTGGTAAATGTAAATGCGTAGTTTTATTAACAATATGTATCCGATTTTG
AAATGCAAGTTATCTTTTTTTTTTTTGAAGTCTTTAGAACCGCTCCAAAAATCACGTCTC
GCGATCTGGTAACACTGCACAAAGTGTAAATATAAAGCCCGGCTTCAGATAACGAACTGA
AAATTGTGCAAAACACAGAGTCAATGATTCTTCGCGATATGGGAGAAGCCACAGTGAG
>EP77794 (+) Dm BI1; range -499 to 100.

CCATGTACAATGTTTTTAGAAAAATACGCCAATTACCTTGTTTTGGATCTAGCGCGAAAT
AAAAAAAACATTTACTAGTCGTTTCGAACCTTCGTTGCTTTTCAAATGGAAAGTAGGCAGC
GCGCGCAACCGAAAAACACGTCATAGAATCATCTGGAAGTTCGAAAAATGTCCGTTTACC
CAACACTGACTCAGGTGGGCAATTGTGAAAAACACCACCTTATCAACAGTGCTGACGGTG
TTCTAGTTTTGAAAAAAAAGGCTGGTATAAAATCCAAAAGATTTATACAAAATTGAAC
TGGAGTATTATTTATTTATTTCAATTAACAGGATTATATGTTAACTTAATTTATAGTATG
TTGTACAAGTATTTATGTGTATACGGTGAGTTTAATAATGAATACGAGCATAAAGTTCAA
ATCTAAATGTAGCTGTAAAAAGACCACGTCGTGAGCATAACCTATAGCAACTTATCCAA
CACTAAAAGCTGATAAAACAGATTTTCGTGAAATACAGAAAGAAAAGGCAAGAAAATAGAG
CCGAGTAGGCCCTTACAAAGTAAACAGTCAGTTTTAAACATCAGTGCAACAGTTCTAAT
>EP77795 (+) Dm CG3209; range -499 to 100.

AATTAATAAGGCACAAAACAAAGTAGATATTAAATTATGGTGTGTGTATAGCCACACAC
TTGTGTTCCATAATATCAGACTATAAATTATTAGACTAACAAATTATTATTTATTGGTTTA
TAACATTTTGTTTAGTGAAAAATAAGTACAGGCAAAGGCTGTCAAAAACACACCCAATAA
CAATATAAACTGATTGTAAATGTGCCTTGTGATTTAAGTAATAAGTGCAGGTAAAGGTC
TGTCAAAAACACATACCCAATAAACAATATAATCTGAATGTAAATGTGCCTTTTGTTCCT
AGTGCACGTTTCATTCAACCTTTTCAAAACGATTGGCAGTGGAACAAGAAGCCGTTCCGT
CTCCTGCCCGACCGGAATCGTCCCTTTCCGTTTGTTCCTCGTAGAGATGAGCGCGGGCC
AGGTCTGTGAGCACGAGACAGGTTTTTGACACAGTCAAGGTCCATCGCTAGTTCGGTCTA
CAGCAAAAAGTATTTTAACATTGTATATATTGGCAGCACACAATTCGGAGGCATTTTTCG
CTTAACAATAACTAATGTCGCATGACACAAATGTAAATGATCGCCGTGCTGTTGGACAT
>EP77796 (+) Dm CG7536; range -499 to 100.

TGCGACTGGTTGGGACCTGTGTGTTAGCTAGATTGCGGATATATTTGCTGTTTTCTCG
CTTTTCTTGTGTTGTGAAAAATCGCAATTTGTTTTGCGTCGATATGGCAGTGTGACCGTAG
CGGAAGACGGGTAATACTAATGTACAAGATGGTAAATACTGGAATGGGCTACACGCGC
GGGTTATGCACAGTGGGCCAAACAAAAAATTCTCATGAGTAGCTAAATATTTATAAATT
TAAGACATACTTAAGTACGATTTTCAATTAATTAACCTTTAGCAGTAATTGAACTGTTTATT
TGACTTTATTTTCAAGCAATTGAAGATAACGGAACATTATCGCATGGATACATTTTCATACC
ACTTGATTTTATCCACAAAATAGTGAAAAATACTCTCTGCAACTATAACAGTGATCGTGC
ACAACAGAGCTGCTCCAGCGCTGTGCAACACTGGTGGCCGCGTAGCGCGCGTGCTTACCA
ATACTTTGCTTTTTTGTTCAGTTCCTTTGTGTTGTTTGGCGTTCGCATTTGCGCCGTCGT
CGTCTGAATTTTTTAGTGATATGCGCGCTATTTCCGGTGATAAGCAGTGTACTTAACAAAT
>EP77797 (+) Dm CG32281; range -499 to 100.

GAGCACAAAAGTCGCTTGTGTGTCATTTTGAAGAACAGGCCCTTGATATTGCACAAAT
TGTAATCTTTTGAAGTCCGTCTTATGTTTTTCGCACATTGTTTAATGAATAAATCGCTT
AGAATGTAGTCAAAAGATAAAATACAACATATTTTGTAAACAAAGTGTAATGTCTTCAG
CGAAAGTGCATATTGTATACTGTGAAAGTTAATCTCCCTAATAATTAATCACGAAATCTA
TATAATTGACTTTTAATTTTTAAATAAACTTAAAAATGTCACCAAAGGTAGCAAGTGGAT
TGTTATAATTGGATAATTAAGTTCAGCTATGTTTATAATGATTAATAACTGAGTTATTTG
GAAAGGAGTAGATGAATTCTAATATTTGTCTGAAAATGGAATTAATTATTAACATTTATT
AATTATTTTTTGAACCATTCAGTTCCTGATATTTTTGTCTAATATATAGTATATTGT
AACGGTCATCTGTATGGTCACACTGTTTTACGTTTTTGCCTTTGTTTGGCTTTTTTCATC
CGATCTTGAATTTTGAATTAATAGAGGTATATATTTAAAGATTAATTGATATTTGGAGA
>EP77798 (+) Dm CG11652; range -499 to 100.

ATGGTCAACGGAAAGATCAACATGGCTCCGTTTGAAGCAGCTTGCGAGCAAGCTGCCTCG
GAATACTTTGCGGCCGTGGAACAGGAACGCCAAAGGCGGCTGCCAGGCGGAAAGCGTAGG
TGAACGAAGGCGGTTTAGAAATGTATACCCTATTACGGGAGTATCCACTAATTTGTGTT
CTTTAATCTTCCATTTAGAGGATGCGGAGGAGGCTGATGTGTCCGAGGCGGAGAGTTG
AAGCTGTAAATCCCAACGGAACTATGCTCTTTTTTTGTTAAATCTAAAGTACAAGTTAA
AGGGAATTTGTATAGGAAATAAAAATATAGTAACCACTTTTTTAAAAAACTAATTAATTCA
GCATAAGAGGTAAAATTTAAACGTCGTGTGCTTTTCAACACTTTTTAGTTTCAGTGTTG
GATAAAACTGCTTCTAGTCTTTGCTCATCTCGGAGTCAGTTCCAGCTGGGGCTCACAAG
TTCACGAGCCAATTGGTTCAATCAGCTGTTGTCTTCGACATTGCGACGCGGGATTGGAA
AGAAATAACTAAAACGTTTTTAAAGCACGCTTAAAGATCAAAAATTGTAAGTAACCTATA
>EP77799 (+) Dm CG12576; range -499 to 100.

TGTTTCTACCGTGGATCGCAGCTACCATCAAGAGCCAATGAGAAATGCTGCTTTAATGCT
GGGGAAAACATTTATTTTCAAACGGCAATTCAAAACCTCACACGAAGTCCATGCAGCCCTG
ACGTCAGATATCGATAACCGACTTTTGGAAAGTAGCGTTTTTAGAGAAAAATTTGAGGACT
CCACAGATTAGCAGAGGAACAGTTTTTCAGTCCTTCCAGAATTATAGTAAAGAAAACGGT
GGATTAATTAAGTGTTCAGGAACTTATATTGTATATTTTCGTATGCTTCAAAATCTTGTC
AAATTAAGAAACATTGTCTGCGAAAACCTAACTTTTATTGGTTCTTAACAACTAATTT
GAAACAGCTGGCCGAATTCACAGTTTACTAGGTGGTTATCGAAACTGGTGTGGTACATT
TTGGTATTTGATTTGCGCCGGATGGTATTTTCCTTCGCGTGCGCGGGTCACATTCAC
GGATGTGTTTTTTCGCTGATTGTTGCTGCGCGATCGAATTTGCCTGGAATTCGGG
AGTCAACATAATATTTTCGAAAGTCACAGCTATAGCGAAAAGTATGCGAGTTCTATTAC

>EP77800 (+) Dm CG7384; range -499 to 100.

AACTACTCACTGCTTGCTTACTCTTTTCAATTATCGCACTATTAGAGATACCCATTTAATGG
ACAGCAATTAAGGGGTAATTATATTCTAGCAGTTAGCTTGTTTAAGCCAGTGCTAGTATT
GGTAGCATCATTCAATCAGAAAAACGTTTCAAATCTTTTTGATATTTTAGAAGAATAATGT
AACACAATGAGTCTTTCTTTCAAAGAAAAACCAAATAAAGTACTTACACATCCACTTTTA
AGAGAACTTAAAGAATATCTCAATTTCTTTGGAACATGCTTACTATATCTGGATATTAGG
ATGATAGTTCCTAATAGTTTCAAGAGCTATTCCATTTGATATTAACCTTTGCAATGGAAAA
TCAAATCAGTTGGAGGGCGGGCGAAAGAAAAAGCTCTTTCCCTCGCAGATCCTAAATATG
ACCAAGTGGGTGAGTCTTCCGGGTGACTGGCAGATCGGTAGGAAGCAGCAGCTAGTCGAG
AACCGTTATCAGTGGCGGCAATAACAAGCGAGGCTTCAATTTCGCTTCCAGTGCAAAGAAG
ATTATTGCAGTTGCATTGCCGGGTGCGATCCGCCAGTTGTCCACGTGTGAGTACGGATG

>EP77801 (+) Dm CG6866; range -499 to 100.

GATTTTCTAAGCGACGATTAGGACGGAAGATCACAGCCAGATCTAGAATACCATTTAAAC
TATCGTTTACTGCTACGGGAGTCCCACATTTCTGTGCATTTTCGAGCCACAGAATTCGCGC
ATGCATTCACATTTGATTTGATTGAATGTTGTTTAAATATATATCTATTAATAATATGTA
CAACAGTAATGGAGCAAACTGCAATAAATACTTATACAACAATTTCAAATATGGCGCT
CACTTCAACTATTTTCGATTACATTTGATATCTTATCGATAAACTTTTAAACAACTTA
CGATCATGCCAGGAGAAATTAATAAATTATTTTGTCTTTTTTTTTTTTGGAGTTAAATTA
GTATTCATGGTCTATTTTATTATATATTTGTACAAAAAATGTTCTGTACCTGTTACATA
CATTTATTTCAACATATTTACTCTACGAGTAGGGGTGTAATAAGTAGGCAATCCAAAA
AAGTCTGGCAACCACAAATATCAGTAAATACATACAATTCGTGTGTGCGTCTGGATTTT
GCTGTATTTTTTATTTAAGAATGAATTATTAATACTAACCATTAATAAATTATTATTAATA
>EP77802 (+) Dm CG9391; range -499 to 100.

ACTTGTAAGATACCTTTTTCTAGGCAGCTATGCCTTATCATTCTAATGATACGTTTAGAT
GTATTTTAAACACGCTACACGTAGAATTTTTTATATCGAAATGGGATCCAATTTGAATGC
TATTTTTTCCAAATTTGTTTCTTGTAAAGTCTTTGGTATGCGGAAGTCAATGGTTGTGTGG
TACAAATGGGTATGTTTTAGTATAGATATGAAATTTGATTAGATATAGATATAGATATGA
TTACATGATGGTTAAAGCCATTCCAATAATGCCACCTTACAAATTTTGGATTTAAAAAC
AAAAGTATGAAATCTACAATAAGAAAAAATTTTTTTTTAACTACAACCCGGTCTATTA
TCCAATCAGAAATATTTGGTATTTTATTAGTATTTTCCCGAGCTTATTGGAATAATTTAA
CGGTGCGGAGCTTTGGTCACTTTGCCATCATAGTATAATTTAATTAATACTTCAACTT
TTGATTTGTTAGCGTTTATTGGGAGTCCAGAAATCACAGAGGCAGCACCCTGCAAAAT
GTCACACAACGTGGACGTGGAAAAGTGCTTAGAGGTGGCCAGCAACCTGGTTTCCGAAGC
>EP77803 (+) Dm CG6755; range -499 to 100.

AGGATTCTTGGGCAAGCTGATAAAGACGACAAAAGCGAAGGTATGTGGAAAACTTGGA
TTTCTGCAGTTTAAAGCTAACCTATTTTCGGAATCCGCTTGCGAGCAGCACTGAATATAT
CGCAGTCTGCTCGGACATCGTGGGCACTCAGTAACAGTCAGTAATAAACCAATAACGGC
GCCAAACAATAAACACAAACACAAAACCAATAGACGCCACAGTGGTTGCAAGGAAATC
GATATCCGATAACTACTGTGACCAGGTAGCCACACGACACGAGACCACGATCAAAGTAT
TTGCTGGTAGTCAAATGTAATTTACAATTCGATTTTATTTAATGTGTGTATCGATGATTT
GGACATGTAAATATTTGTATTATCACGATTGAATTCACATAAATGTTTGTACAAGCCTAC
TGTGACGTAGAGCAACTCTGGCCGACAGCTGTTTGGCCAGTGTGACAAGCGCCACGCCG
TCAAAAGCAAATCTCATTTAGTTTCAACGCTGCTGGCCTGGCAAAAGCAAAATCGAAT
GTATTATAATAAAGGCCGTAATGCTATTGAAAATACTTAGAGCCTCGCGACCAGAGGC
>EP77804 (+) Dm CG7834; range -499 to 100.

TGCCCTTGTCCTACTATGCCAGGTACCCCTTCTTGAGCACGTGCGTATGATGCCGCCAG
CCCGCTTGGCGGTGCTGATCGAGGACGCCATGACGCGCATAATTACCGGAGCAGTTGCAG
CCATCGTTATTTTATTTGTATGGGACAAGGATGCGGGAGATCTTTCAAGATTGGAATGA
GATGTTTTCTGCTGCGTGACAGAAAGTGATTGCGGTGAAAGTGAACAGCTGTTGGCGGCTA
GAGAGGAGCGGAAAGACACAAAGTTTAACTACTCCCCGTAAGTGAATTGTAATTCGTAATTC
ATCAACTCCACAGTTTTCAGAAATTATGTTTCTAGTTTTGCTTAAAGTTGTTAGTCCTTT
AAGATACATGAATTTAAAAATGATTTTCAGCGGAATATTTGGACATTTTATAGCTGCAA
ATAATCGGCTGCTCTGTCTGGCAACGCTGTAGCCGGAAGACCTTTGGACCACCGCGC
CCCCGCCGCCAACAAATCAGTTTCAATTTCCATCTTGAAGAGGTAAGTTCTTGAACTCAGT
AAATTTCCGTAAATTTTATCAATTTTATACTAATTTGGCAGAAAATGGCGCGTGTGTTG
>EP77805 (+) Dm KCNQ; range -499 to 100.

CCAAATTGTATGAGGTATAAATTGTTTACATCATTTTTGCGTATTTAATTATGACAACCA
AAACAAAAGAATTATATCATATATATTTCAATAATCACATTGATATATGTTTGCTGGCTG
TTTCAACCCTAGTAATAGGGGGCCGTGAGAAGAACGCCTCAGGGTTTCTTTTTTTTTTG
TTTTCGGTAGGCTATCAAAATTAAACGGTAAGTTCTTGTCTGATCGGTATTTCGGACGCAC
ATCAGACGAGAACTTATCGCATCTGTGGTACTACAAATTTCTTTTTCTGTCGGAATAC
CCAAGAATCTCCCTGTTCAAGCCCGAACCCCTGTGCGCATGTCGAGCGACCTACACA
CAAAAAGCACTAAACAGGCCAGAATCCGAATCCGAACACGAGCGCACGACTACCCATAC
ACACACACGCGCAGACACATATAGCCACTGACTGACTGCACCACCGACCGCGAGGAGTT
GGCGCGGTTCTCGGTGTTAGTTGAGCGTTTGGTGGCATTGCGAGCGGACGGAGAGTGAT

TCGGAAGAGCAGAAATAGCTGAAAAGCGGAAAAGCTGGCCACTGCGACAAAGGTTAAGCAG
>EP77806 (+) Dm BEST LD23852; range -499 to 100.

TCTCGGAGGGCGCCAGTCGTCTTCTGTCCAGTTCTTGCTCTCGCTCCAGTTCCTGCTGG
CAGGATCGCTTGTCTTTCTTTCAGCAGTGGCGGCGTGAAGGAGTGACGGGACTCGGGACGC
AGTGGTCCACGTTGGCTGGGAGCCAGACTGCGCCGCTTTAGGAATAAATGATTAGGGAAA
TGGAATTAATAAATAAATCAAATTTTGTATTTACCATTTTCAAATGCGGGTAGC
GCGAACAGCTGATAGAAGCGCGGAAGTCTGGTCACACAGGCGATAAGAAATACTGGTAAG
TGGAACGCTGGGATAATGAAACAGAACGCATTTAATCAAATAATACTTGTGATCATAGC
ACGCTGTTTTAAAAGTGAATAGATAATTAGATAAAAAATAAACTAAAAATGGAATTGCTAC
ACCCCGATGTCAAAAATTTCCCGATGTATCTCAGGTATAATCGAAACATCGATATGTTATA
TTGATAGCTGCTCATCGCTAACTTTCTATTTCCGTGCAGATATAATTGTAAATATTTACG
CAGAATTGCTTTGGAAACACTACGAAAATAGTGCAAATGAGGCAATAAAGTGCGGGCCG
>EP77807 (+) Dm CG1041; range -499 to 100.

GCTCTCGCACAGATTTTCGGAGCAGATGGATTGCTTGTGGAAGGTGTCCGCATGCAGCTC
GTTTTCGAATCCACCTTTTGTGATCATAGCTACGGACCAGAGTCAGCAGGGCGGTGAG
TATGTCGTTCTCAACGAGGAAGTGCACACCTCCGTGCCAAACACCGACAAATTTCCGAAA
GGCACCGCCGCCGATCCGGATGGCGCTCTCCTTATCGCACAGCAGGGGGGGCCGCAAT
CCGGACCAACTCGCTGTGCGCTATTTTCGGGAACCTTCTCCTTTTCGAGCGCCAGCACGGC
GAATGAGTGCAGTCCGTTTCAGCTTCTCCTCCACGTTTCGCTGCTGCAGGTGAACGCAAAT
CGCCTCGATGGGTCCGAGCCCTCCGCTTCGCGCGCTGATTCCACATCGATTTCCGCCGA
GGTGTCCACGCCGATGGCGTCCGTGTTTTTACTTTTCGAACTTTTCCATTGCAACAAA
ACACAAGTGCACGTGTTTACTAATGGGGCTGGAACAAAAGGCGGCGGCTTTTGTGCTAT
CGATGTTTCCAGATAGTTGGCAGCATCGAACATTTGCCTACCTTATCGATTTTCAATTTA
>EP77808 (+) Dm D3HI; range -499 to 100.

ATAAGCGAAACAGCGGCACGTGTCGCTCACATATAACATAAATCAAATAAAAGCATTGG
AAAGACCAGAGCTGAAAAGCTTTTGCCGGCGTCACTGGAACCAAGATAAAATATATGTA
TAATGTGCTAACCATATGGTTGATAGCTAGCAGAGCTACTTGTGAGAACTTGTTTTGAT
CTAGCAGAGTTGTCGCGACTTCAGAAGAATTATATATTATTTTATTATATTATTATAT
TATATATATTGATATATATTTAAGTTTTTTAAAGATTTTAAAAATATATAAAAGTTAAT
ATTATTACTTATTGTTTAAACATATCGAACTTTTCAAATAAATAAATAAATAATTAATAG
ATATAAAGATTTGTTTGGAAATGGTTTTACTATATTAATTCAATGTATTAATTAATTAAT
ATTAATTAGTGTAGCCGACAAACCTCGAGCGGCCGCTGGAATGAGCTGAAAATAAGCGAC
CTTCCAACAGCAGGAGCAGTGTGCTTCTGACAGCGGTCCGATCACGTAGAACTTTTGCA
GTTTCAGCCGTATCCCTTAGATTTCTTACACCAACAGGTGGGTGAAATCTGGTGGCTAG
>EP77809 (+) Dm CG3625; range -499 to 100.

CTGATGTTCTAGTTCGATCCCATACACTCAAATCTAATCGCTTGTAGTCAGTAAAGATAC
CTTTGGCCTAGAACAAATGATTTTGTATACAACTGAATGATATGTGGCTTCATACGGTAG
ACGAGAGTGAATATTTTAGATTTCTGTTTCATGATTATCGTCAAAGAATTGACTTCAACATC
AATTTCTGAATGGTTTTGAAGAAAATAATATTTTCATAAAATTACATCACGAATTTATAA
ATTAATAAATAAATAAATTCATACAAATTCACAAAGCTAGTCACAATTTAAATGAATCCA
CATCTTCACAGATGTATTCAGCCACAATCAAATGTTAAACTTTAGCTCATATTAAT
CTCGATGTAGCTTACAACCTTACAAGGGGGTACATACATATATGTGTATATCCGAACACC
TGGTATTGCGGCCCTGCTTCGGCTCGGGCACACTGTTCCACCGCTCGCCCTTTTTTTGG
GGTGGTTCGACTCGCAAGCAGTAGTACTTTCGGAGCGACAGACCAGACCGGTTGTTTG
TGTTTTGGTGCCGTGAAAAATCAATCGAGAGCAGAGCAGCTGCAGCAGGAAAAATGGCATC
>EP77810 (+) Dm PMM; range -499 to 100.

GCACAGTCTACATACCACCATACAACCTTTAACATTGACCATGGAATCGTGAAAGTATTT
GTTTTTCAATTAATAATATATATACTTTAAGCATTGACCATATTTAGACGTTACATTT
TCTTGTGTTTGTATCTAAAAGTTTGTATCTTAAAAGTATCCAACATTTGTTATTTCTAT
TTTGTGCCCTTTTCTAGGGACATCCAATATAATGTTTCATTTAATATGTGTATTTTTTAA
TCGAAAATAAAGCTTGTATGCTTTTTAATGCATTTATGAATTAATTGTATTGATTTTTA
TTTGTTATTACTCATAATACAAATTTACCCGAATTTATTTTTAAATATCCAAATCTCAAT
ATTTTGAGCAAAAAATTCAGAATTTAAATTTTTTCGTTGCGCGCGCACTTTTCAAAAAA
ACCGTTAAGACATTTCTCATAATACCGTCGAAAATACTGAAAATATGGTAACTAGAAGA
CAGCTCTTCTCTTCTTATTTATAAACGCTACACGTGCGGCAAAAAAGTTTGTGAT
TTAAATTTTTGAGCTGAAATAAAACACTTGACATGGGCAAAAAGGACAAAAACAAGAAGA
>EP77811 (+) Dm AATS-VAL; range -499 to 100.

ATAACGCAATCTAAATTTTGAGCAGGCCTATCGAATTCGACAGTGCTGTTAACTACAT
TTTCGTTAAAGCTTTTAAACAAAATAAAGCATTTAAGATATAAAAAATATATTTTGAATA
ACTTGACCATTTAAGTTTTGATTCCGGAGTAAGCAATTTTCAGATTGTTTTATATAATTTA
AATCTTTTTCATACTGGAAAAATTTAAAACTTTTAAAAATTTTATACAACATGTTAAAA
TATAGTCGATTTTAGTTATCGTAAAATATATTATCATTTGATTTCTAAATATTTGAAGCAC
CTTATATTTTAAAGGTGATAAAATTTCTATTGTTTTCCGTTTAAAAATAAATGAATATT
AAAGAATTTATGTATACAAAATTAATCTTACATAAGAATTTTAAAAACACTTAATAT
AAATCATAAATTCAGTTTTTATACCTTTTAAAAATGATTAAATGTTATGTGCCAAATGGA

ATTCAAAATAATAATATCTGTTGGCAACCCCTGGTCCCAAACGTCACACGTTTTTCATATGT
TTTTCTGCGACTCCAGTCTAACTGCATGTGAGTAATGTACTTCGTCCATTTTCGTCATTTA
>EP77812 (+) Dm CG9135; range -499 to 100.

TGTGATGTAGGAGTGGGCTGCTCCGACAAAAAGCCAATGTATTACCGTTTTTGTGCTAAA
TCAAATACGTTTCAAATGAACTATGCTTAATTTCCATACATGTTTGTTCATAAACAAA
ACTTTAGATATAACAAATTTGCGGATCATGGCGCACTCAGTTATGTGGGCATACTAATA
ATTGGGTTTTTTAGGTTATTTGTTAGAATTGAAGGACTAAGTTGGTTTTAAAGTTAAACA
TAATGTTGGGATTACTCAAATGGATAACTTAAAGAAACCTAATTTTTGGATGACAAAGTT
CTACATATGAAAGAACAAAACCTTTTTTTGTCCAAATGAATAGACCACATATTAATTGTTA
TTTAGAACATAATATTTTTTAAAAATTCGATAGACACAAAACCCAGTGTGAACGGCGAAA
ATAATCGATAACTGCTAAGAAAAACAAAACATCGACGTTGGTTGCTTTGTGGAACATCG
ATAATCGCGAGCAGCCATCGATACATGTTCCAGCTCTGTAACTAGCGTTGTTGTTTGTA
ATTTAGCTGTGAAAAGTAATTAAGCCGCACACAGAACTGAAGTTCACCCGCTAGATAAA
>EP77813 (+) Dm SU(VAR)205; range -499 to 100.

TTGGATCTGAATTTGGAGCATCAGATTCCTTCGCCTTCTTGCTTGCCGGCTTGATACGCT
GAAAGAGGTTTTAACTTGTATACCTAGTTTTGGTGTATTTCTAGTTAACTTACATCATC
TGGACCGCTATCGCTATCGAGGCAATCCTTCTTCTTTGTTTTGGGCATTTTTATAGA
ATTTCCGTAAAAACAGAAGAAAAACAAACGCAAAATTGTCAAAAAATTCGTGAATATTCGCGC
AACTTATTCAGTGCTGTGAAACGCGTCGATAATAGTTGTGGTACAACGGATTCTTAATC
GATTCATCGATTTATTACAAAATTTTTAAAAACAGATATTGGCGATCAGTTAGTTACGTT
ATTATTATAGTTATGTTGTAAATTTAGATAGTTCTTAGTGTTAACATTTTTCTAGACTT
AAAATGAAATTAATACGATGTGCAAATCTATCGGAAATAGATAAGCGTAGTCTTAGCAG
TCCACGCGTACTTTCGCACACTGTTCCGCCGGCGTCATTTTAGAACGCGCATTTTTTGC
AGATTTTTTCATTTGTGGAAGTCTTCTAGCGCCAACACACAGGCTTATAAAAACCAATT
>EP77814 (+) Dm CG31883; range -499 to 100.

AATGTGTTTATTTAATGAGTTACATTTATGAACAAATTGTATTGATTGGAACATTTCGGTG
ATCTAAGGAATTATATCAACGAATCTCAGCATTGCCTAAATTCGGAATGTTTTCTTTTA
ACCATATATATATCTTGATAAACATTATGTATTTCTACAAGCATTTAAAAATGGAATCT
ACATGTGTATATGTTTTAGGCTGTGCAATTATGTGGGTTTGTGCATCCACTATATGTCAA
AAACAAGGTTTGAGTATAGGCTAAATCCGGAACAGTGATGAGAAAGAGAAAAGCCACAAC
GTTGTCTTATAAAAAATTATGTTTTTCGTGTAAACATTTTATATTATAAATGTCGTTCT
AATTTTGATCTTCCCTTTATATTAAATACATTGTGAATTCACAAAAATTACAAAGTAGA
CTTGAAATAACGATATATCGACAGTTGTGCCATCCCTAGAACAAATCGCTCTCTGTCTTT
CCCCATTCAATTTATCACCATTTCGCCTTTTGAATCCGAATTCGACGGATGGTAAATTT
TGAGCCGTTGAGATTGAACCGAACGAATTCGCGTCGAAGTGATTGAGCCACCTTTTTTGT
>EP77815 (+) Dm TRP1; range -499 to 100.

AAATTAATTTGAGTTTCGATTGCAATATTCACGTTTTGCTTGATATGGTTTCATATATATT
TTGGATAATACAGTATTAAGTGAAGTGAATTTAACTTTATTTAAATTGACATACAT
TAAAGAAATGTGTGTTTTGGGAGATTTTATAATATTAAGTTATATACAACCTTGGTTAA
CCTTTTCGATTAGTATGAAAGGTATATTTTACTTATTTTGTATTGTTTTTTATTACCGT
AAAGGAAATGGGAGGTTTTCTTCGCGACACAATTTTATTATTTGTATAATCATAAAATTA
GTTAAGAAAATTCAATACCTTCTAAAAATATTGATTTTCATTTTTTTGTTGCTAAATGA
TCCTTTTAACCTATGAATATGAAACATTAATAATTCAAAAAACAACCTAGTTCCCATTTT
TAGTGTTCCAGCGATAGGAAATAATCGCTTCACGGAGTTGCTGGAACATCGATAGCAT
CGCGTGAACATCGACTTTTGTTCATCCCTATCGTGGATGTTTATGTGGTGCGTGTGTGG
CAGAATTATTATCAAATATTGAAAGAATCAATTTGAGCCCGCAGATCGTCACACTTG
>EP77816 (+) Dm C550; range -499 to 100.

GCCGAATTTGCAAGTCGCGTTTTATCTGCAATTAGCCATGTTTTCCAGAAAACAATACTT
TTTCCTCTGCCACAGTGTGAACGTTTTAACTTTTGGCCAACCGACAGTGCTGAAAAACGT
TGCACAACATTGATAACATACAAAATTTGAATCTTATCTTTTTCAATTTCCATTTTCGAT
TTAAATCATTATCCATAGTTTCAGATAGAATAGTTATATTAGTTATATTTCTATAATAGAT
TTTTATTCTTTCAATTTCTTTACCGTTAAAATTGTATTTGAAAATTATTAGTAACAAGA
GTAAAATATACATGAAAGTCTAGGCTGCAGTATGTAATACGTCAAATTTTGTGGGACAC
TAAACAACAAATAGTCGTATAAAGGCTTCTTTAAATTGTTATGATATTTTCCACAATT
TCTGCATACTTTTTAAGCTTGCTGGCAACGCCGCCACCGTACCAATACAACCTATCGATA
GCCGCTGTGAGTTTTGACAGCTGTTTTAAGGTTATACTGCGCTGCCGTTGCAATCGCTC
CACCAATTTGGTAATTTTGTATTTAACATCAAATATTGCATAAACTAGGAAAACCG
>EP77817 (+) Dm PKA-C1; range -499 to 100.

TGGTTTCGGAATACCAAATAAGACTGGTCATACTGCCATCTAGGCAATACTAATCGTAAC
GGAAATTGTGTTCTCTGCAGCCCTAGCTTAAATATACTTTTGATAATTTAAGGGAATTCC
CAAATAGAAATTTCAATAAATAAAAAAGGAAATCCATTTAAAAATATTTTCGTAATTCGAA
TCTAACTTACTTCATAATAACAGTTTCATTAACAAGTGCTCTATTTTTATTAAAAAT
TATATCTTTCATGCAGCTTAGAACTCTTTAAACATAACAATAAAATAATCCTTACAGCTT
ACGAATTATATATTATAATTATTTATTAATAATTTGGATAACCGCTAGCTATTTCCG
ATCATTTAGATTTTCAGACGGAATAGAACC CGCAGTAGGGATTACTCATGATTGCGCC

GCACGGTTACGCTGAGCGAGCTGCCTATCGCTGGCCTACTCACACCTGCGTGCTGGGGC
GCATCCGCGAGTCGCGTCAGTCGAAAAAACTTTGAACGATTTGGTCGGGAAAACTCG
GTTGCGCGGCTATGCGGGTATTTTAACTAAGCCATCAATCCACAGCTACAGTGCATCA
>EP77818 (+) Dm CG1486; range -499 to 100.
GTACGACCTGGCCGTGGACTGTTCACTACTCGTTGGCGCTGCGGCTTAGTGTTTATTACA
TAAATATAGTTTGTCCGCGTTTCGTTTTTTGTTAATAAATTTCCACACTCATGCACACAC
TCATGTTTATTCGATACTATCGCACTTTTCGAGCATCGATGAGTTTTCCGCAACTATCGA
TGGCTGTGTAGTATGACCGTGCAGTGTCTTCAAATCGCTGAGACACAAACCGTGAC
ACAAACCACTGTGAAACTCGTCGTTTAAAGTTACGAGTAGGTGCTATGTATGTACGTTT
GTGTGCTGCTGTCCAACGCTTTTTAGTGGCGGATATTATAAGTTTTTCCAACCTCCTTG
CGACCTATTCCATCACCAGAACCATGGGCCAACAAATCGCACACTATTTGCGATCTTAGTC
AGACGCACCCACTACGGTCACACCATTCCACATCAGCCTCTCTCCATCAACACACACAC
ACACTCGCCCGCCACACACACACGCACACACACCCACCCACACAGACGCGAGTGGCAGC
AAACGAAAACAATTATTTTGCATCGCAGGCGATAAGTTAAAAGTGATTTAGACCGCACTG
>EP77819 (+) Dm CG11132; range -499 to 100.
AATTGCATCATCCAGTGGAAAATGATCATACCTTGAGGCGTGGAAGGTTTTCTGGGAGA
TCTTGGCGCTGATCTTCGATATGTACGGGCAAGGTGTTGCACGTGAAGCGATGGCAGTTGG
TGTCCTCCTCGATAATCAATATATTTCCGCACGACGGGCAGAAAAACAACATAGTTTCGG
AGAATCCGAATCCGCGCTGTTTAGTTTTTTGATTTGAGCACGTTGAATTCTCAGTGTGAC
CGCGTATACGCTTAGATATACTAACTCAATAACATCACAATGTATACTGCAATACCATAT
GTTCCACCGTTCCTCCATAGATGCTAATTTGAAGCACATTATAATAATTAATAAAAT
TAATTATTTGTAATAAATAAAAAATATTTTCAAATACTGTTTGAAAATTTTCATGTTCCGA
ATTTAGTGAATTTATTACTTAGCCCTAGCATATACTAACTGTATATTTTATGGTGAAATA
AACGTATTTACCATCTTATAGTTTACGGTCATACTAATAGCATTATAAGAAAATTTTGTTC
GTTTTGCAAAAACTATCAAAATAAACAATAAGCAACTCAATTTTTAGCAGACATTAGAG
>EP77820 (+) Dm TRX-2; range -499 to 100.
AGTAATTTTAGGACGCATTTAATGATTTGTAGTTTAAAAATCGATAGATAGTAAGATATAC
TTTAATACGAATGATGTTTTATAATTGGCGGAAACATTTAAAGAAAAACAATTTGGCTGC
CAAGACCCAAATTTTGTACCGCTTACATGGCTTGCAAGTTTTTTTTTAAAGCCTCTAC
CGGTAAGAACTGAAGTACTGCAGAGTTGCTTTACGATAAACTCACAATGACACACAGAC
ACAGACACACAGACATAACCAGACTAAAGAGAATAGTACTACAAGTTATAATCGCTATCT
TCAGCAAGAGGATTTACATTTAAAGTAATCGCATAGTGGCCAGCAAAACCTATCGCATA
GATGTGCCAATCGGTCTATCCATTGCAAAATTCACCTTACCAAAACGCGACATACACATAT
GCAAAAAAGAGAGCGTATAGCAATGAGAAGCGTGAGCGTGAGTAAAAAATCTATAAAAGCA
ACTGCGACGTGCTCATTTTGGTAAAAAATTTAGCTGTGCTGCAAGAGCTGCCCGAGTGG
TAATTAAGTAACTTTTGTACATTTCTACCGGTTCCGCTCCACATCTCCCATCCAACATG
>EP77821 (+) Dm CG7675; range -499 to 100.
ATATTTTCAAGTGGTATCTCGGTTAATGATATATGAAATGAAAAATAAAATAGATTTTTATC
TGACATGTTTATACAATTACCGTAGTACTTCAAATAGTAATAAAGTCTTGGTCATTAAA
AAAGTTAATTACTATCCATTATTTTCTACATTATTTCAAGCTCATCATTCGAGCTGC
ATAACTAGAAAAAGAAGCTTTGCGAAGCCCCGACAGGTGGCTTTCTAGACACACTTTCTT
GGAATCCACTACCCAGATCTTTCTTACCCTGGTAACATGTATTATAGTTTGGCTCC
ACTCTGTGCTCGCTCTTTGCTGCGAGTGAAACGTTTCATGAAGACGATCCCAAAGAGGAG
CCCGGAAAGCCGCTTGCTAACCTGTTACCATGGCTATAAGTGCAATAACAAAATCACCG
CGACCACGGCAATACCAAACCGGTGGAGACGATCGCGCATTCTCCGCAGCCTCGGCTTTA
TAATCGGAATTCGACTTCAGTCTCCGATTAGTCGTTCAAGGCGAAGGTTGTGGCACTAG
CTCTTGGATCCCAATTCATTTTCGAGCGCAGATATAGTCCAAAGTGCAGGTCAGCAG
>EP77822 (+) Dm CG3107; range -499 to 100.
TGATGTTAGATTTTACATAGATTGTATATAGATAGATCTTTCTTTTCTTAACATTTTTTG
AATTTACCTAAATATAACGATAAAATATACATATGTAAGTTAAGACTATACCCAGTATA
CAATCTGCCGAGAGAAATGCAAGAGCCTAAAGCTTTCAAGATAAGAGTGATGCCTTGACT
TAAGATGTAGGGATAGCTTAAGAGATAATGATTGTGTGAGTTAGTTGATTTGCTTGACT
TAAGATGTTGGGATTGCTTAAGAGATAATGATTGTGTGAGTTAGTTAATTTCTGGATATT
AATAATATTGAATACTCATTTAGCGCAGACCGCGCTTTTAAATGAAATTGTTAGCATTAT
ATTTTTTCAATCAAAGCATTTTCAATTTGTATGAAAACGTCCTAGTGTACCATTTTCCAC
CGTTCCTCCCATCGCAGCTAAGTCATCGACGATAGCTTGAATCAATTATAAGTGAATAAA
ATGTAATAATTTAGATTTTAAATGTCTTTTTTTTCTATACGCCGGTGAGTAAAATATTT
AGGTCCATTTCTGTTTGAATCAAAAATTAATGCCAATAAGGCATTGTTATGCCCGAAACA
>EP77823 (+) Dm CG11241; range -499 to 100.
GGCAATGTGAGAATCAAAGCGCAAACTCGTGATGTTGGTTGATAAAGCAAAATATATAAT
TCATACTTGATAAATCGATATAGCATATTGAAGGACCTAACTATCGACGGCTAGTGGAAA
TTACACTGCAATGTTAAATGCCAGCCACTCCAGAAAAACGGCGAATCTGATCCGGGACAG
GACGTCCCGCACAGCGATTGAAAAGAAGAGCAATGCGATATATTTTTTGTAAAGACAA
AGGATTACCTAAGCACTTCAGTAGTTTGTGCTTCAGTACGTAGCAAGCAAGAATTGAAAT
AAATTATTATGAGACAACAACTGGTTTACCTACTGTCCCAACACCTCCAAGCGTTACC

AAAACAGTTCCTCCACTTGGGAGAACGAGAGTGCCTTATCCGCGGCCTTGACTTTGCTCTCCA
ATCTGACAACAGAGACCAAAGCTCTCCGTTGATCGAGCTTTCTCCGCCGTCAGTGGAAATC
GCAATCGTGCCCGCCTATCAGTTGCTTCACCTCCGCCGTTACTAGTGGACGACTGTCCTC
GCGAAAAACACGTGCCACACAGTTGATTGAGTTCAAAAAGTGCATCCAAACCAGAAAAAG
>EP77824 (+) Dm AMA; range -499 to 100.

TAAGATCCAAAACGTCGATGACTTCTTCATCGGCAAATACACTGAAAAAGCTGTTACTA
ATTATTAATAAATATGCAATATAATAAAGGTAACTATTTTTTTTACTAAATTTTAAAC
TATTTACTAAACACTGCCATTTAAAATCTTTTTTACATCCTTAACACAAAAAATTA
TTTTAAATCAAATTGATTTCTGTTTACCTGGCTATTCATTAATAAAAAAATAAGTATTGA
TATATCGGAAAACTAAGTTATCTCCGTTTTTACCAGTGTATCCATTAAGAAGCAACGTTG
TCTAGACACAGCCGCGGTAATCAATCATAATGGTGTCTATCTGCTTCATTCTCGCGGTGT
ACAAATTTCTGGGACTTTCTTGTAGAAACCGAGCCATCGACGTCGGCGCGTCAGGAAGAAT
ACAAAAATAAGAACCCGATTTCTCAGAACCTCAGCAGAGATACGGATTTTTGTAGCCGAGCT
CGGTGCGCTCTTTCAATTCAGTCGAGTCCCGAACGCGAAGTGAAGCGCATTGAACCCACA
TTGAACTGAGAGATAGTCGAGGAAAAAGAGTCACAAAATCAACAGCAACATCCTGTAAAT
>EP77825 (+) Dm CG9125; range -499 to 100.

GAAGTAGGGACACTCGCGAGCGGTGCCCTCCCTGAACGGATGGCATCTTACCTGGATGTT
GCAGCCCACCGTCCAGCCGGCGGATGAGGGCTTCGTTGTGGGTGATCAGGTGCGTCAG
GGAGGTCTTCCCCACACCTGGGTAAGGGGAATTCTCGAGAGGATTAGTGCCACGGAAGC
GTTTGACGTCCATTATTTACCCGAATCGCCAACCACAACAATTCGCACTCGATTATTCAT
CGCCATTTGATTGGAACCTATTTTATTGGTTGCAGCCACACTAGCATTCAATGACTACTA
CTAACTACTAAGAAATGTTAATAATGACACAAATTTCAAGTATAGTTAACTACGATAAT
GTTATTTTCCAAAAAACATTAGATTTGAACTTAAAATGTTTAATCATTTAATCAATTTA
ATAGTTTTTAAATCTGAATTTAAAATGATGTTCAACACTTTTGTGTTGGTATATTTTCG
AGGGTCGCTTGGCATATGCAGACTATCGCCCGCCGGTCACACTGGCTAAAGCTTAAAAA
ACACTTGGAAGATTGAGATAATAAACAAATCAATTTATCTGAACTTCGAATAAGATG
>EP77826 (+) Dm CG6659; range -499 to 100.

GGGAACTCGGCTTCGGTACGTAGGTATATGAAAATACTAGATTGCTCATACAGGGTTCTT
TTTCTGATAAATGACGCTTTTGTGACAGCAATTGTACCTAAAAATCTATATAGACCAG
ATCATGATACAAATCCAAGACAAATACAAGACTAGTTTGCCTTTTATCTGTGGCAGTAGG
TATTAGTATTATCTGCGAATAAACATTTATTAAGTGATAAAAGTTGGAACGAACTTTAAC
TTATATATTATTATATATTATAAATATTTATATGTATATATTTCTTAATGTACAAATTTT
TACTTAATAAGTGCAATAATGATATGCAATATAAATAATTAAAAATTCCAAAAGTCAG
TAGATAATATAACTAATTATAGTATGTACCTATATATCGTAATGTACCTAAAATTCAGT
GTGACCAAACCAACACAAATGACCTTTTTGACAGCAACTCGGTACGGTCACCCTAGACAA
GCACGGCCGAAGAACAGCTGATTGCTGGCTGGTTTTTATTGTGCGGAGCCAGGAATAATC
GTTGTGAAATAAATAATGATTGCCAATTTGAACACAGCCACCCAGTGAGACGACACCCAC
>EP77827 (+) Dm AG02; range -499 to 100.

CAAGACTAATAAAAAATATGAAAAATGTCAAAACATTTTGAAAAATGTGCGTGGGAAGTTTT
GGGGGCTTTCCGTAATCTCAATTTTCTAGCTTCTTATTCATCCTGAGATCTCGACGTTCTG
TACGGACTGACAGATGGACGGAAGACGGACATGGCTAGATCGACTCGGCTATTGGTCTT
TATATATATAATATATATAATATATTATAATATATATAATTTATTAGGTGAAATCGGTT
TCTTTTGCCGGATACATGCTTTTCAACGAATATAGCATACATTTGACTCAACAAGCAACA
TGTATACAAAACATGTATAAAAAATATACAAATATAAATAGAGTCCCCACTTGAATGGCCC
GCCTAGTCCGTATGTTCTATCAATAATCGATAACAGAAAAACATTTAGCTGTGCCGCTC
AATAACTTATCGCCACCCCTAAGGCCTCCCATCACTAAAAAGACTGTGACGCATTAAA
AAATCGTCTATTAAGTCTGTCAGTTAACTCGAAACCTCAAAAGTAAATCATGGGAAAA
AAAGATAGTGAGTTGTCCACCTGCAGGACCATACAGCTATTCAAATATATGCACTTTCC
>EP77828 (+) Dm CG5284; range -499 to 100.

TATCCGCTCTGGCCAGCCGGCCATCCTTGAGAAACCCAGCGCCGAAAGCCTCGTGTGT
GAACAGTTACTTCAAAGTAAATGCTATTTTCGTTGGCGTTTATCCACCATTTGAGCCAGT
ACAAGCCCAAGCTGTCCATCATTTCTGTTACGCACCCAGTTTTTGTGGTGTACAGAACCAT
TTTTATCGACATCATAGTCTGCGTCTTTGATTGTTTTCAAAATACGCAAGACCAAAAC
TCAACTGCACCGTGAGTACGATCCATAGTACGCTTGAACGGACATGGCGTTAGCCTTGT
ACTTTAGCGTATGTGAACAATATGATTCTCTTTTAGGCGAAATTGAACTTGTGTTGGTGT
TGAGTTTGCAAGTAATTGCGCGCTCTGCATTTTTTTCATTGAACAAAGTATCGCGTCGG
GATATCGTACCTATCGCGAATGATATCGACTACTTTTGCAATCGATTCTTGTTCGATACA
CTACGTTCTGTATTTTATTAGCTCGCCCGTCTGGTCACACTGACGGTTCGCAAAATAAAT
TATTCGCACACAAAAGTAAGCACTTCACAAAAGTAATGTGTACTATATAATCGATCAAAAT
>EP77829 (+) Dm BCDNA GH10148; range -499 to 100.

TGTTCAAAAGAACAAATCGAATATAGTTATCATATGAAACCATTTACTTAAAAATGTA
CTTAATAATACATGTACGTTTTCTCATATATAAAAGCTAGGCTCAAGGAGCTACTGAAA
AAAAAGAAAAATAAGAACTTAAAAATATACAACTTTTGAAATACTGCCTGCAAAAGTATC
GATTGAAGTCATCGAGCTCTTGCAAGGAAACAGCTGTTTTACTGATATCGAATTACGATA
AGATTAAACGTTGCCAGTTTTTCAAAGTTTTCTGTTGGGAAAGCCATTGATGGTAATGCGAA

ATTAAACAACAAAACAACACTTCTTTGTTAATTTGATTTAACTTTTGGACAATTGCAGA
GATATTTTTAAGAATCACTTAATCCATTCTAAATTGAAGGAATTTTAATCGCGCTGTTG
AGCTTAAGCGACAAACAGGATTTTTAGTGCAGAAATCAGGGCTGGTCGGCTACATTCGCA
GGCCTATTGCCGTTTAACCATCTGGTAACATTGAATTGAAGATAGTTCTGGAATTCGTA
GTTTTCATTAATAATAAAAGCAGATTTAGCAAAGCAAAGCAGCCAATGTGAGTTCATTG
>EP77830 (+) Dm CG8547; range -499 to 100.

TGTTTCGCAGTTCAAACTTGGGAGCGGGTTATCAGGAAAGTAATTGTCAAGTACCAAGCC
AGCAAAAAGAAGTGTGATGTATCTCATTTAGATACGTGTGCTGATAGTACCTTCAGATAG
TTTAAACATGTTTGAGTACAGGAATATTCTTACTAAAAATATGATCATTTTGAAGTAA
CTTCATTTGAAAATTAATTGGTTATGATAAGTTTGAGAGTGAATTTGCGAAACATGGACA
TTTAAAGAGACATTTAAAGGACGTTGATTTGTTGAGGAGAATTTAGCATGGGTTATCAGA
TACCCTAACCTCCTAACCTCTATTGTTGATCAATCGGCATTAGTTGCGGAGAGCGAAAA
GCTTTGCAAGCTCTAAAAACCAAAACCGAGCGAGAGATGCTCTCGTGCGAACAGGTCTCC
GGCAAGTTGCCATCGGATGGGATCGGATCGCACTGGTGGGGATCGGGATCGCTGGTGGA
AGTGCGGATCGTGGGCTCAGTACCGCCGAGCTAGCGACGCGTTAAGATCCGCATCCGA
ATCGTAAACACAACGAGAACTTACACTGCGCGCACCGTTACACTTTTGTGCTGGGAGCG
>EP77831 (+) Dm CG8026; range -499 to 100.

TTTTATAATACTCCTTAAATTTAATTGACTTTTGCTAAGGATTTCTATAAGAGAGTGGCA
CGGCTATATGAATATGGTGTACTCTGATAGCCAAGTTCAAAATTATTATGTCTTCTACC
AAAATAAATGTAACATAACAACAAAAAAGTAATGTTTGACGATTAGGTAATTTTATGC
TAGATTTTTGGGAAGAAGATAGAACATTATATGTCTTAAAAATAGATTTTTTCTATAAA
ACCGGAATTATCTAATATAAGCTTAAAGAGAGATGAGATTACATAATAATTTAATTAAT
ATTTAATAATTATTTAATAACATGTTTAAATGACATACTTGAGTAATATGAAGCGAAATA
CCTATTTTTATCAAGTGGTGTGAATATGACATTTTGAATTCGATATGATGTACATTGGT
ATTTATTCTGCGCTGGATGGTATTTTTATTGTTATCGGCCCTGGCGCACATATGGTAAC
ACTGTGCTCAAAGTCGATTAGTCGTTTTTCGTTGGAGAGCTTGCTGTTGCGATTTATCCG
CCTGCTCGCGCTAGAAAAGTTGTTACTTAATGTTTATTGCTGCCACACGTGCTTGATTA
>EP77832 (+) Dm BCDNA LD21720; range -499 to 100.

TTGTAGCCCATATGCATCCCGCAGTCGAGCATTATGTTCTTCCCGCCCATCGAGAGCAGC
AGACAGCTGCGGCCACATCTGGCCGGCGCCCAAGGGCGTTATCTTGATGTCCGGCATT
TCTGGAAGGGATCAGGATCACCCGGCTCCACTCTCTGCTTTCTTGCGGCCACTTGTTC
GCTGGTAAATGAAATTGTCGAAAAAGTCGACCGTGATTTTTGTAAACAGCAAGGCCGCAC
GAATGGCGTTGCCACTCGCTCGGTGGTGGTGGTCCGGCAACGACGCGCTCCAAGTGGCAG
ATCTTATTGGAGTGTTCCAAGAAAGTTTCAAAGAATTTAATAGCTTAATTGAAATTAATGT
TTCTGTCTGTATATGTATAGAAATACATTAATTATATGTGAATAATACAACCTTTAGTACAA
TAAGTCTTTTGTCAAACAATATTCAACATCTGCATTTGGGAACACTCGCGCCAATGGTT
TGCCGCTCGAGAAACGGTCATACTGAACCGAAAGGAAAAATAAGATAGCGTCTTGCTTT
ATCAAATCACTGTTTTGCTTTCTGCGGGCGAACTTGCAACTGCTGCAGGATGCCCGATTC
>EP77833 (+) Dm CG15557; range -499 to 100.

TATGATAATATCGGTTTCACTCTGGAATGAAGTATCGAGTGACTTTGTATTAGTTTTAG
TTTTCCGTTGTAAAATCAAATTCATTAATGATTTAAACCGAAAAAAGCACTGAAACATTA
AACAGCACACCATCAGTATTTATTTGAAATAAATATATTTTTGTTGAATCAAGCATAAT
CCTTATAATGACAAACCAATTATTTTTCACTTTAATATTGCAAAATCACAAAAACCTGCG
TTTTTATGCGCCATTTGATTTTATGCTTATCGCCAAACATTACCCATTTAGCACAAAAAT
AATGTGAGAGCATACATATGTACTATATATTTTAAATTGAAATTTCAATTTAGAATCTA
ATTTAGCTTTATGCTCATGAAACGCGTATTTAATACCTCCGCTACTCTCTGTACAAAGAG
AGAGTGGAGAGAAAGCGGGAGAGTGAGCGCTTAGGTAACAGCTGAGCGTTCTTAGAAAT
TGGACTTCGTTTGTAGTTTTCCAGCGCAGCTGATGAGTGGGGTGGAAAATTGTGTGA
GTGCGCTGCGTGCAATGAATAAATGGTTGCGAAAAATGCCAGCAAAATTTCAAAGTGAAT
>EP77834 (+) Dm CG11474; range -499 to 100.

GCTATCCAAGCTGGTGGTCTTCAAGGAGAGCTCAACTATCGCAAGCTGCTGCAGGACGT
CTGCTGGGACCCACCCAGGAACCTCAGCACCTGCCTCCGTGGCTTCTTCCAGCAACAT
TTGTGTGCTGCGGCGGGTCAAGAGCGAAGTTATCTCCGGCTGCCGAGGGCGTTGGCCA
GGCGCTGAGTGTGAAGGATCCGCGCTGGATGGTCTCGGGCAGTTATGGGGTCATTAGTT
CGTTGACGGAGCTCGTGAATTTGGCTATTAATCTTGACAGGCTGGTCAGCTTAAATTAT
TGGTAATAAATAGTCGTTACATATCTAGAAGCCAAAGACGCTTAAATATATACATATAT
GTACCTTTTTTGTATGAAACAATAAAAACTTGAAACATAAGTAACAAATTTTAAAAAT
TCAAAAAGTATCGCCTTGTAATTTATCGGTTCCAATTTCCGTATTTTCCATCACCGCCAA
AGCGGTACACTACGCGCCACTTTATCAATTTATAAACTTTCCGCAGCAGTACAATTCGG
CTGGAGCAACAAACAGATCCTCGAAATGGGCAGCGAAACGGATTTTGACGCAAGAATGG
>EP77835 (+) Dm CG9356; range -499 to 100.

AAACAATTTTCCGGTTGTGGGCTCAATCAGATCGATTTTCTGCAGCACCTCGGCCTCCAC
TGAGGACATCCTTTGGAGCTCCGCGGGCGTGGGGGGCGTGGCCGGGATGTGTTGGGAG
CTGGCGTTGGTGGTATCTTCACTACGCCGTACCAAGTTACCTTCGTTGTGTTTATTTGT
TTTTTTTTCTCGGTCAATCAAATCAATCGACTTTATCAAAAAGTGTGAACGTGTGCGTGG

GTGGGCCGAACAGCACTGTAAATGAAGTGTAACTGCGTTCATGTTGACATGCTCTG
GTCACACTGGACTGTGGTGTTCACCTGGGAATTTATTTATTTATACCCATTTTATTGGGT
AGGAGAGCATTTTTAAAGGCAATAAATTTCTAATTAACAATGCTTTTTTATAATCATGA
TAGTTTCAAACATTTAGGTCTTGACCAACTAGAAACACAAAACCTCTTTGCAGCGAGT
TGGCAGCCCTTGGTCAATGTTTTGTTTTGCTGGCACAGCAAAAGAAATCTTAAATTAG
GAAAAATTTTATTGGCCTGGCCAAGATTGCCAGAAATGGAAGCGAATGAAAGTGCATG
>EP77836 (+) Dm CG12114; range -499 to 100.

CCAATTTAACATTATTGTTTAAAACATTTTACCCGCGAGTTTTGTGTAGCGCCTGTAAGC
TGGGCAAGGAAAAATTGTCGGTACCGAAAAAGAGAATTTTGGAGGGTGGTAAGTCCCT
TGACAGCGCTGTGCAATTGGGATTACATTCTGCCACACTTTCTCTTATATTTGTAAAAAT
TATTGACTAACTCTTGCCGCAAAACATCGAAAAATTTGTTGGATAAATGCAGCGTAA
ACAAAAACAGCTGTTTCGCGATACCAGCTGGTCACTCTACCAAATAACGTAATAGGAATGC
TGAGATAGAGTGAAACCTGTTGAACCTATCGTCTTCAACCATGTAAATGGTGGTCTAACT
TTATAAGATCAAGAGTCGTTATTTTTGTTTAAAGTAATTAACCTTAGCTCAATACATTACT
TTACTTTTATTTATCTGTCTTCAGTGACTATAGACTATCGGTATAGTGATATTTATTTT
TTAAGTTCATCGCAGGTCATACTAATGAGAACGCAATAAAAAATTTGGAAAATCAAACAT
CTACAGGAAAACGTATATTTTGGGATCAAGTGCCAAGGAACTCCAATACTGCAGAAATGG
>EP77837 (+) Dm EG 80H7; range -499 to 100.

CCCACCAATTCCATCGCTCTTGACAGGTGGCTCTGTCCGTATGGCCACTGGTGGCCACCAT
CAACTTCACCCTGATCCCCGAGCGCAACCGGGTGCCATTCATCAGCGCGTGCAGCCTGTG
CTGGACCTGCTTCTTGCCCTACATGAAGCACCTGGAGCACCACGAGGTGGACGGGGCCAT
TTGATGGACATGATCGTATTTCTCAAACAGCATTAAATAAAATAGTAATTATTGAACGAA
ATGAATGGAATTAACCAAGAACGGTATTCTGCACTAAGTACTGGTCACACTGGGCTC
ACCTAGGGGTGAAAAAATATCGATTGTGCATGGGTTGTTTTATTTAAACAGCATTTT
GCAAAATAGCCCTCTTCCGAAGATCAACAAGCCTAAAGTAATAAATTTAATAAAAAGG
TATTTTGAAATAATTTCGCGGTATATCGACCGAGCCCCACCATTTCTTATCGACACTGT
CCCATCGCTAGCCCCACCTAGTTGTTGCTGCATTTTTTGGGTGTGTGCGTTGTATTTGTT
TACTGACAATCCCCAGAAAAGAACTCCTCTGCTCCAATGCGATCCCTCGAGACCCAGG
>EP77838 (+) Dm CG12393; range -499 to 100.

CAGCTGCTCGTCACTGTCCGCCGCCGCCGACGTGACACCGAGCCCTCCAGACGAGTGCT
GATCTGGTTGACTATCTTCTCGCTCTCGTAGTCCATTATCTTGCCAGCGCCTTGCCCGG
CGTGCGCCGCGCATAGCTGACTCGGGTATGGTGGGGGCATCCAGGTACGACTCCTCCTG
CACCGCCAGCTGTGCGGCTCCTGCTGTTGCGCGTCTTGCTTCAGCTCCTCATTTGTGTA
CTCAATGAATTCCTGCAGGGAGGGCTCATCGGGATGCGTTTCGCTGAGCGTGAGTTGTT
TTGAAAATTGGTCAGGTGGAATGTGCCATTGGTGTGCTAGAACTTGTAGCCCAGCATCTC
CAGCGCGATTTCCGTGAGTAAGTACGACATTTTCGAGGATTCAAAATTCGTTTATGTTTG
CAATCTACATTGAAAATAGAAATTCGCGACCCAGCAATCGATAACCGGTGGAGGTGTGG
CAGCACTGGCCATCAGCTGTTGCGCGAGCGTCAATTGTTTCTCGCTTTGCATTTTTTTTA
CCTGTTTCATCACAATAATAAGAGACGAAAGGCGGAAATAGGACACCCATATTTGCTTCGA
>EP77839 (+) Dm CG4502; range -499 to 100.

GTAGAATCTTTTTCATAACCGAAATGGTTATTATACTCATATTACTGGTATTTATATAGA
TATACTCTTAAGTCCAGAAGAGCCATAAGAAGCAATAAATGCGAACGACAAGTGGATATT
TAATATTACTAATCCAACCTGTTTGGTACTGAATTTACTTTATTGGTGTCTAGACATTT
CTCAAAACAAAATAAACGTAACTATGCGATACCAAACAGTGTTAACTCATTTAAGGGTT
GCGATTTGAAATTAATATAATACCTAAGAGAAAGCTTCGCTACGGTTATAGTAAATCAT
TTGTTTGATTTTTTATATATTTGAAAATTTGTTTGAATACCGCGCGGATTTGGTTGTT
GTATTGGCTAACATAAGTGACTGGAGATTTGTAGAGTGTAGATATCCGCCGATGAATCG
ATTAACCTTCGATAGCAAAAATCGAATCGACAACATATGCCAAGAATCATCGGTAGTCGAT
GCCAAATTGTTATTTGCTATCTTACCGCTGTGCGGGCGAAAAAAGTGCAGTGCAACGA
AAAGTTGGTGATACAGTGATCCAGACAGGAAATAATTCAAAAGTCGCGTGGAACGCCGA
>EP77840 (+) Dm CG3631; range -499 to 100.

ACTTCACATACCTCTGCACTCTTGAAAATGTTGAAAAGATTATAATTTATAAGAACTA
ATAAAGTCTTCGTCTTGCCCAATCAATTTTCAATTAATCGATGCCAACAGTTAATTTCTT
ACTGTTTCAGCATTATATATTTTCAATTTCTTAATAACAAATATACTAACTTGTTAGTTTTT
CGTGATCGAATATTTCTTGCAGTGTACACGCTTGGGCTCATCTGTGCAATTTGGAATTGT
GTGGGTTTTTATAAATACTCAAACGTGTGTGAGCATTTGACCTTTAGCCTGCGTTTCTTT
TGTGGGTTGGCTTAGTTTTTTGATTAACTTTTAGCCACCTGAGAGGATTAGCCCAAAAAT
AAGGCGAAATCACACGAATATATAATGTAAATTGAATTTGGCGGTTATGCATGACGTTGC
CAGATCGTTTACCGCAGGCCAACGAGGGCTGCAACAGCTGAAGTCAGCTGCTTTTTGTTT
ACATCACGATTTCCCTTTTGTGTGCTTTTCTGCGCGGTGAAAAACGCACGTTTTTCC
CATTTTACCAGACATAAACAAGGCTATTTATACAGATCTGCCAAATCGGAGAGGCAAC
>EP77841 (+) Dm CG7705; range -499 to 100.

ATGGCGGAGGCGGTGGCTCTGCGGGAACCTCAGAGCGCGGCTTCTCTGTGATAATCACTT
TGGGTTTGGGACGCGGAGCGGCACTTTGAACTCGTTTCAATTTGATGCACGAACAAAATC
TGTTAATTTTCAAGGTGTAAACAAATTTTGCAAAATTAGCAGCTGTTGCGCGCAGTGA

GGCCAGATATTTGCCGCTAAAAACCTAACTTTTTCAACAGTTGTCCCGCGAAATAAAG
CTTTAATTTTTGAATATATTTTAAATAATGCTATGGATTAATTAATAATGAATTAATAAAG
TGAAAAGGCCTAACAAATGATTTCAAATAGAAATAACAAATAACTTTCCGTTATTCTTTT
GAACACAAAAATTAATAGCTAAAAATAGCTATGAAGTAGCTAAAATACCTATACAGCCT
GAAATGCCCATTACCACCTCATGCTGGCGGTATTTTTAGTATTTTAACTACATTTAGTGT
TGAATAAAATATAGTCTTTCTAAACAACAAAAGGTGAAACATGCAGGAGCTCAAGGTGCG
TTTATCACCACCTAAATATATATTAGAATAATAAATAATGCCCTTAATTGTACATTACA
>EP77842 (+) Dm CG9175; range -499 to 100.

TTGTTGCAGGGGAGAAATTTGTCTACTTTCTTTTAAATAAAATTTTATTACAAGTACAAT
TAAGCCTATCTCGTTCTTAAAGGTAGGTACCAGTAGGTACTGGTTATGAGGTGGATCATT
GAACATTTCAAACAGGGTACATGGTATATTGTACCTTAAGGTACAAGGTAAAGAAGACAA
GCCACGTTATGCAGCGTACTGGGTGCAATATACGCGTTGCAAAATAAATATCGCAATATA
CTTGAATTCCTATGTATATAAAAAATGGTTAACAATTATGTACTTAAAAACATTAAGCTTA
TTGCGATAATTTTTAAAGTTACCTATCGATTAGAGAACAGCTGTGAATATTTTGATATTT
CCAGCTGTTAACATTGCAGCCCATCAGCTGTTTGTCTACGTCAACAGTCTGGCAGCCCTG
TTCATCAGCTGAAGACAGCTGACTGCTATGGCACCAATCACCAATCTGCCTATCGATGTA
TCGATACCTCGCCCTGCCACCGCTATTCAGTGTACGTGGATTTTTAAGACAACCTTTCTCA
GTCCAAAACACAATAAGAAAAATAGTTCCCATGATTAACGTCCACTGAATCGACCCACAAT
>EP77843 (+) Dm CG31626; range -499 to 100.

GCTGTGAGTTAATTATAAAAAAGTGTGCTCCCATATGAATGCTTGGTCCAAATAATTTAAA
AAAAATAACAGATCTCAACTTTTGCTTTAAGAACTAAAATACCCTAAGCAAATAACCT
TTAAGTAGAATTTAATGTAGTTTAATTAATTAACGACTTAATCATGTATTAACAAGGCG
AATATTATAGTTTTTTTTTTTTTAAATCTCCCTAAACCATATTCAAACCTGAAAATTAA
CGTTTCTTAATGTTAATACGTAAGATCAAAGGGAAAAATAAAATAAATATATCTTTGTTT
CGTTTTGATCGCCCAACAGCCGCTCTGGGTAAATGATCACTGCTCCGCTCTCTTCTTAA
CTGTCTACCTTTTCTTCGACTAGAAGAAGCGCCAGGCCACACCGAAGACGCGAAGACGG
ATATCCAGCAATAATAATGGGCCAGACCAAGTTAAGCATGGCTTTTGGTATAAAAGTGCG
GGCCCATCTGCAGTTTCGACATCATTAGCTTGAGCGTCTTGCGACAAGAGCTTGCCAAAG
CAAATCCAACGAACCTTTAAAGCCCCGACCAACAAATCAATAACAATGGTGAGTAACTGT
>EP77844 (+) Dm CG7237; range -499 to 100.

AGTACGATTATAGGGAAAAATCTTAAAAATTTAATTATTAGTTTAGAAAAACAAACGTTT
AATTTTTTTTTAAGTAATTATTGTTACATCGATTTAACTAGTATTTATCTTTACTGATTG
TAGCTTCCCCATATTTAGGACATCCACCTAAATGAAGCAAACGTGTATCAATTTCAAGGT
CTTTGCGGTGGCCCCAACCCGCGATGTGGGCGAGTTGAGAACCCTCTGGCTCACCAGC
CAGAAGCCATCAACGCAACCAACGAAATATGGCCAGAGCAGGTGCTCGAGCCCTGCGAG
TGACATTGAGAGCACGGCAAAGAGCGAATGCCGCGGGGAAAAGCGAACCGCAGAAGGGTG
GCGCCGAAGAGAGGCAAGTGCTTTCCACTCGTCCGGGAAATTCACCTCGACAAGGACTCG
TGCGTGGGCGGTGACGAGGCTCAAGTTGAGTGGCGGGAAAAGTGCTTAAAGACGAGCGC
AAACCGCTCAACGCTTCAGTCGAGTTTGAACTTACACTCAAGCGAGTTGTAAATAGTT
GTTTCGAGTTGTTGGCTCGTACTCAAACGTAACACCTTTATGCATTTAAGATAATC
>EP77845 (+) Dm CG7039; range -499 to 100.

GTGTGTAGGGTTGCCAGACTGCTAATAAGAAAATGCTATAGAGTATGGTCCCTTTTAGGG
ATGGATTGCATATATTGCGTTTTTCTTAAGACGTAAGAAAACCAAATTGGTAGAAATAAC
AAAGCGATAGCTTTTTCCAAATTTGAACGCGAATCGGTAGTGGATTGGTAATGGTCATCA
AACATCATCAAAATTTGCAAAAAATGGTCAAAAAATGAATTTGCATTTTGAACACAGT
TTGATTTGAAATTTTATTACGAGCTTAACGAGGTATGACATTCATATTTGGACCATTAT
TTCGAATGTTCTTATCAAAATACTACAATATGGTTTATAAAAAATCAGGGGCAATCAGAGA
AAATTTGAATAATTTATTTTATTACCTTAACAGAACTGTGCAATACTTAAAAATATAAT
TTATAGACATCCCCCTAATAATTAGATAGATATAAGTGACACTTGCCCGATCGATACTAT
CGCATCGCCCTAGCCGCTGGCAGTGCCATCGCTAGCAGTTCAAGTCAACAATTTAAGTTTT
TGTTTTTGTGGCCAAAACACAATAACAATGTACACATTGATGCACGGCTTCTACAAATA
>EP77846 (+) Dm CG5489; range -499 to 100.

CCTTGCAATCCGGTCTTAAGGAGCGCTCAACGGATGCCCTTCTCCGGGCGATTCCGGTGG
CGATATTGTTCCACCTTCTCCAGTTGACCTGGTGGTGCATGTTCTGTATGTCCTTG
AGCGCTGCCTGGCGAGCCTGCTCCTCCAGTGCTGTAATCCATCTTCAATTTATTTGGA
TCACTTTTCAGTCTCTGTTTTGGTCAATCTTCGTGAGCAGTGGAAGTGCTGGTGTGACCAT
ATAGCAGTGCGGCTGACAATCTCACTTCCAAGAACTACAGTGTAACTTGACAATAAGCTA
TATTCTACTCTTAAATATTATAGTTTTATTGTGCTTAAATTTTTATTATTCTTC
AAGCTTAAAAAATTATGAAGTTAAAGTATATCTTTTAGTTTGCCAAAGCAACAGAGGATT
CGACCTAAGTATGGAAAACGTACTTATCGATAAGTTATCTTCTATTGGTCTATCGCCA
TCGAGAGCTTTGTTGTTTATAATTTGCAGCCAAACGTTTGAACGTAACAACGCCCTAA
GCAAAACATGAGCACGGAAAAAGAGATAATTTGCAATTTGCTCCGTGGGAATCTTTTGT
>EP77847 (+) Dm CG12024; range -499 to 100.

GCCGGAACAAAGGCACCGACGTCGCCCAATTATCAGCCACTCGAGTTGAGGATATCA
CGTGACAGCCGATGTGGCTGCTTCACTGAGTCATCTGTCGGATAAATTTCTCAAACCTCC

ATAACAATGCACTAAATTGAACCTTTATTGATACGGTCGCATAAAACCAAGTTTGAATTGC
CGCCAAAGCCGACTTAACCGCTTTGCAACACTGCCAGTGTTAGATGTTGTGGTTGTAGA
GTACCTCAGAAATAAGCTTCTCCTCACTTCTTTGAACATGTGTAATCGCTGAATTGTAATA
TCCTCGCATGTATCCAAATTCATGATAGAGTATTGCTTGATGTTGCTAAAACACTTCAAT
ATTTAAGTTATTTGTTAGTAATAATATTCTTGTTGAGCAATCTGGATTATTGTAAGGGCC
AAGTAATTCTTATCACTTATCTGTACCAGTAGGAACCCCTGTTTGTGGCAGAATTA
AAGAACATTCGCTCTGGTCACACTGCTCCGTCAATTGGACTGTGGGGCGAAAATAAAAA
TAAGAATAATCATGTCAACGCTGCAGCTGGAATTTTCGCAGGCAATGACCGACTTTAAGA
>EP77848 (+) Dm LAS; range -499 to 100.

GGTGTGCGTTTCGCTTCGCTCCGTAGCGCTGGACGCTCCCTCGCAAGCCGTAGTTGTG
TGATGGGATTTCTTGGGGAGCACCACCGATTAGGACCGAGCTTGACACTCGCAGGAGTTG
GACTACTCACAGTTAAGGAAACCAAAGAAATGTAGCTGGTAAAACTTTCTTTTGTTTTA
AAGCGACTCATATACTAGTGATGGCAGTGCGCTCGTCCGGCTGAACATATCGATGTTTCGAT
TAATTTGCGAAGGGATTAATATATTTAAGGTACAAGTATTTAGAATAACTTCTACATGCA
ATCATGCACAAATTAAGTGGCGACTTTGTCAACTCACAATTTTTTATGACTCTAAAAAG
GAACCCCTTTCTAAATCTTTGTTTAAAACTACTGCTAGCGATAAATTTTTTCCAACATAAT
ACCATAAACGCGCTTCTTATAGAAACAGCTGTTCTCCACAAAAGTGCCCATGAAACAG
CAAGTGGCAACCGGTCTTACTAAATATTTTATAAGTTTCGACAAGCAAAATAAATCGTTT
ATATTTTAATAATTGTAAATAATTCATATGTATGTCATGTTGCGAGCTTTAAAACTCA
>EP77849 (+) Dm CG3301; range -499 to 100.

ATATGTAAATATATGTGTTATGCAGACATATATGTATATTTATCGCATAGAACTAACA
CCAAAGATACATGCATGTTAGCAGAAATAATAATAAAAAATTCAACTAACTAAAGTTT
TAATATCTTAATTTGGGCATCATTTACGTTTTGCAAATGGACTACAATCGATTTTAAATA
TTCTAGAAGTTTGCCCGAAACGAAGAATACTTTTAGGCAAACCTTGATTTAATAGCAAATC
GAAATAACGATGGAGAATGTTCTTGATGGGTATAAATATGAAGTCATCCATAGATAGCGA
TCATAATTGGTAATGGTGCCGCTCTCTTGAATAATAAATGAATTCACCTTAAGAATTTGT
CTGGTCACTCGGCTCTCGAGAACCCATTCAACTGGATTTATTGAAGCTATCTGTGTGTA
AACTTTTACCACAAAAGCTCCGCCTATTGATAACCGATTAACATCGATGTAGGTATAAA
GTAATAGACATTGAACCTAGTCTCCGTTGGGAAACACATCAAAACAGACTTGCCATGAAC
CGCTGGTTGAATCGCGTTGCCGTAGTCACTGGTGCCAGCGCCGGAATCGGAGCAGCCTGC
>EP77850 (+) Dm BCDNA LD14730; range -499 to 100.

TTTCAGTTGTCTGCCGCATATTGTGGCACCATTACTACCTATAATGTGATTCTGCGCTT
GGCTGGGGATCCCATGTACCTAGTTGCCACCTACTATTACATTTAAATGGGTTTAGCCG
CATCCCAGTAAATGTGAAATAGAGTAAAAAACATTTTCCTGATGCAAATTGATTAATTA
ATGTGGAAATCTAATCTAATGGTATAGTTTGAAGTATTACTACGAAATATGTATGAAAT
CGCTCATAGAAACGTAAATAAATAATGACTTTAATTATATAAGCTATATATAAATAATC
AATTTTATAATTGTAACTTTTCTTTTACTGTAATACTTTAATACTATCCCTAAAAATT
GTATAGGAACGCGCAGGAAATAGTAATGTGAATTTCAAGAGATGAGAGCAAATTAATG
TAAAAGCTTAAGAGAACCTTTTAAAGCTAAGAGCGGGGCACAGAAAAGCTTGAATTGTC
ATTTGAAAATTTCCACTTAGTTCAGCCCTGCAATTCGCCGCTACTAGTTGATATTAAGT
GCTATATTTTCCCCGAAATGTCTCGTGCGACCGAGGGCTTTTAAAGTGCTGATTTGCGAT
>EP77851 (+) Dm CG6981; range -499 to 100.

TTTTTAATCTGTTTCGAGGGATGCACCACCGGGAGCTTTATCAGTGGGAATGGGAATGGGT
CACCACGAAAGTATTTCAGAAATACATCGATGACGCAAGAATAATTGTTTCCGGTCTCTC
AGAGCCGCGGGTATGTTTCCCGTTTTGTGGCTTTGTGGCCGCATGAATAATGTGTAAC
AATGCTGTGGAAAGCGGCAATCGGAGCACCTGATATATCGCGATGTAAGGCGACAGAGC
TGCGATAAGGCCGTTTTGATAAGATACGCGGGTGGGGCTGGCGCATGCGCATCTGGGTTT
CATTGGGCTTCGGAGCCTGAACATGTTGAACCGTCAACGAATTAGTAACCCATTTTGAAC
GGCACCTGTTATCGTGACCTTATCTTATCTTATCGTGACCGTGTATGCTCTGATTGCA
AAAGCTACAAATTTCTTGGCGACACGACGAACCTGGGCGCAGAGTTGGTTGGTTGCCTTT
CAGTGATATTTTTCAGTTTAGTCGACGAACGACAACGATACGAAAACGAATCATTTCGCT
GTAGTTTCCGCGTGAAATACAGAAAAGATTGTGAGTGCCCTTGACTGGGAGAAACCC
>EP77852 (+) Dm GNA1; range -499 to 100.

GCAACTTCGACCGATAAAAGCGGCCGGAACCTTCGCTTCAATTTGTTAGTTTCGTTG
CGGGAGATTGGGAAAAGTGCTAACGGGTGCTTCACTATCATTATCAGACATTAGATAAAA
TCATGGTAAGAGGCTTTTAAAAATAATTAGTGGCACATAGATACTTTCTGTGCAATGCCG
TACGAAAAATATATGAAAAACGTGACCATGTGGCAGTTCAGTCACCGCGACCTCGAGCCC
ACGTTGTTGTTTTAATCCTTGCTGAAACCAACAACCTAAATCGATACTAGTCGGTGG
ATCTACGCACTTTACCGTTTTGCTCGTACTATGTAATTTATGCGCCAAAAATAGGAGAAC
TGAACGTAAATGATAGCAAATGAGGCAAAACAGTTGGCCACCAACGAATCGAAAGTGT
GGGTGCAAGAAACAGTTCTTGATACCATTCCTGTTATCGCGGCTCCACCTTCTTACCTG
TTGACTGAGTTTTACCTTCAGTTTTGCCTCCATCGGCGTCACTTGCTGACGTGTGAAGTC
CACTGCGAAAATGGTGCAACTTACGGTAGTCGCAATCACTAAACCTCAGTCCATAGAAAAG
>EP77853 (+) Dm BEST GH20696; range -499 to 100.

GACCACGACGACGACTGCAATGGGGAGCGCACTTGTACAAAAAATAAGTGTCGCCCA

AGTCAAAATGGCGAGCGCATTTCCTTCCAGCGGCGAGGCATTTTTTTTTCTTTCT
GCTGCTCACACACACTCACAGCGGCGGCCCTTTTCGGTGGCCTTTTCGCGGTGTTTCG
GCGCACGATTTTCACGAGATTAGTGGCAAAAGATACGGCGAACTTTAGCTATCGAACG
GCTGGCAGCAGCGCAATTTCCGCAATTTCTAAGCGCAACAAAATGGTCACAAAATTTCC
ACCAAGTGGCTGCTTTTCGTTTTCATGTGGGAAAGGCAAAGCAGGCTGTGTGCGGGTGCG
AATGAAATGGCAGACAGTGCAGCGCAATTTACGCATCAATTTACGCAGTGTGTAAAGCAG
CTGTGTGCGACAGTCGCTATCGCACACTGGTCGCGGATGTAACAAAGTTGCCACTTTGT
CCAGGTGAGCGGTATTTTCGCTGGCAGCCCCCAACGGTCACCCTGAATCGAGAATATTA
AAGTTTTCGAGTTTTATTTTTACCCATTTGGTTGGTGTGGGAAAATGACAATCAACAGGA
>EP77854 (+) Dm CG4753; range -499 to 100.

TAAGTGTGGACATGCAAGCAGTGCACCTAAAGAGTGACCTTAACACAAAATACCAACAGT
ATTTCTAACTGGATACCTGAAAATTACACACATACGTGTGTAATAAATGTAATAATTT
CGAATACATTGTTTTGAGATTCCCAGAAATGCTTTCAAAGTTACCTTTGAACAGGAA
GGAAATGAGCAATAAGCAAAGCATATTATCCAAATATTTGTGTTTATCAGCATTCTTCCT
ACACGTTTCGTTTCTTTATCAGTTGTAACGATCAGAAGCAGCACACGTTCCGTTAGTTCGA
CTGCTTGCCCTTGCGTATATGATCAATACAACACACGCCAAGCATAAAATCGCCTTTAT
TCGCCGATAAGCAGTGTGCCCATTTCCAATTGACTGATAACAGGTGATTAAGTGTAG
TTGTGGGTTTTCTGGGTTGTACTATCGACGAGATCCATATCACTAGGGGCTCGGGCCGCT
AGAAGAGTCACTTTCAATCAGTCGAATTCTACTGGTTGGTAGAACAAGTTGCAACTTCCT
GGTCTCTAATTGTTAAGATTCCGCTTAGATAGGTGAGTGAGTGTGTGTGTAATGAGAAA
>EP77855 (+) Dm CG10910; range -499 to 100.

AATAATTATTAATAATGCTTAACCTCACAGAGATCAATCATTGGGTTTACTTAGAAATCTT
TAACAATCAATATAGGGGGCTTTATTTGTATCGAATAAGACTAGGTATTTCTTTTATTAC
TTTACATTATCAGTTTCGATTTCGGTTTTTCTTAGAACTTTGCCAAAAAGTTTCCCTTC
AAGCCCTCTGAGAACATAAATCGGTGGAGTTTCCCAAACCCCTAAAAAGCTTACTACCG
ATTGAAAGACTTTCTGCTACTTCACACCCAGTTCCGTATTCGTAGACCTTTATCATGATG
ATGGCACTTTGCCCCTCATTGTTATCATCAATTAGAATGCTTAAGACTTATCACCTGGC
CGTCCGACCATTTAGCTGATTGCGCTGGGCCCCCTAAACAATTATAGATAAATGCAATTA
ATAATGGAGAATAAAAAACAAAATATTAAAAATCAAATGCGCGCCGCTTTAAATTGGTCAC
CTGCCAGCGAAGCCACCTCAGAAACGAATTGAACCGCATGATGGAGGTTCCCTGCAAAA
TTTTAGCAGTTTGTCTGCTGCTCGTGGTGCTCAGGTGAGAATGCCAAACCCACTGAGAG
>EP77856 (+) Dm CG5840; range -499 to 100.

ATGACAGTTGTTCTAAATGATAAGGAATAACAACGGCGGGCAAAATATTAGCAATCGCGG
CACTTGAAGTGTATTTTAACTACATATTATATATAATCAATATTATCAATCAATATTAT
AATTGATTGTTATATAAGCTGAAATCATAATAACTTCACTTTAAATAATGGGTTGTAATT
TATGATCTATTAATAATTTGTCTCTATCTTAAGTGGATTTTAATGACTATTTTATTCAA
ATATAATTCGATTGTAAACAGCACTATTAATAGTTTAATGTTTCTTTATTATACAATGT
GTGAAAAGTTCTTAGTATTTATTATTTTGGCCCGCTGTCGATTGCCGAACCCACACA
TAGGAACCTCAATGATAAGCTCAGATCGCTGGGTGTGTTGTTCCCTCAACGCAGGGGATT
GGGAGGGGGTTGGCCGGGCAAGATTTCTTATCAATCCTCGCTGCTGTTTTTGGTCAACGC
CGGCGGCGGGCGCACAGTTGCCGTTCCACCAGCAGAAAGTTCAGTACTCACAGTCCGCGG
ACTTTTTAACCATAAATAATGTGCGCAATCGGAAAGATCGGATTCTGGGAGGCGGGA
>EP77857 (+) Dm CG4973; range -499 to 100.

CGGCCGCGGCGAGGAAGACGCCAAAGGTCAATGTCGCACTTCAAGGTGTCCGAGCGATGGC
GATACACGCGTTGCTCGCCCTCGAAGCACTTATTTGCGGACAGCTGTTTCGAGCGTCATGT
TCTGGGGGTGAAACGGAGTAAATAATTTGTAAGCTAAACTGAAATCCATTAATTTTTAA
AAACGCACCTGTTTTTTGACGATCTAAAAATAACAAGCGATAAGAAAACAGTGTGACCGC
GTGTAGAGCGCCAAAAGTGGGAAGCTTTTCAAGACATCTTGGTATCGATGATTAAGGGT
AGATCCCATAGGAGTTAATATTTCTAGAAATCTTTAAATTAATATAAATCTATTAATTA
TTACATATTGATGATGATTAATATGTAATAATGCAATTATTACAAACGAATATATTC
CTCATAAGTAAACATTGAATTTTAATGTGCGCGTTTCATACAAAAATACTAATCCATAA
CGATTGTTACGCAAGTACCATCACTAGCCGGGAAGAAGAAGCGCCAGTTGGCGAAATTGC
TATTGTTAATTGTTGTTAACGTGAATTACTAGATAAGTACATAAATTTAAAGCCGGAGA
>EP77858 (+) Dm CG10353; range -499 to 100.

GAGCAAGGAATGTTAGGAATCTGTGGGGGAAATCATACAGCATTAGCTATTTGGCACGAC
GTGCAGTCTAGTGGTAGACTTACAGCTGCTTAATGGCAAACCATATCCCGACAAATAGCT
CCACAATCCGTGCCAGTCCCACGGACGCTTCTCCACACGCGCCCATCTGTGGAATTAG
GCCAATGCGAAATGTGATGGAAATCAAGGGTGTACCCAAGTCAATTGCACTCACTATGG
TCGATGTACACCATGGCGCCACGCTATCCTCAGGGAAGCTCCAGCCACCCCTCGATTTATT
GCACAGTTTTACGGAGATATGTTTCTTACGGGTGTTTTAGGTTCAACAAATATCTCAACA
TGCTACTAGAGATGGACAGCTGCAATGTCAAGTCATTGGTATTGTTCAACATAAGCATG
TACCTATCGATAGATAATTTGGTGTGGTAAACGCAAAGCGAATAACCAATCAACAGCT
GATTGAATAATGTAATGCATCTGGCAACACTGGCCTCGGACGGTTCGCTTGTGGCGTTTA
AGTAAATTTATTAACAAAGCCTCGCTGGCGGTCTCCTTAATAATTGTTGTCGGCAGTG
>EP77859 (+) Dm CG15163; range -499 to 100.

TGGCCGCTTGACTATCGAAACGTCCCGCACTGTAGATCTAACCACTAATGAGGCCACTCG
GGACTCGTGCTCCCTTATCAGATCCTTGAGAACTCATCTCGGCACATTGATGGATCTTC
TTGCTCCGGCAAGGGAAGGGAATTTCCCAAGAGTCAAATTGCTCTCCTTCGAGACTAAC
CATGCCAGGTACCACGGCTTTCAAATGCTTCGTTCTTTTATGGGGCATTTTTAGAGTTTT
TTGTTTATTTTTGTTTTATGTTTTCTATTCTGAAGTATTTTTGTGAGTATCATTTCTAG
GAATAATGTTAAAGGGGCTGGTACACCATCATATGATGGTGAAATCTAAATAACAACGCA
TTGAATTCACACCACGGAGTTATTATCGTTTATGGTGATAAATTTCAAATCCCCGCCA
TTTAGTGTTGGCAAGCGCTGTTGCAAAGCGAACAAATAAACAGCTGATTAGGCAGTGGAT
AGAAGCAGCAGCTCTAGCCATTTCGCATGTCAACGCGGCTGCACATTGCTTTGAATTTTTG
AATGTGTTTCGTTTCGTTTATTCTTTTTACTATTGTTTTTCGAGTGTTGTTTATTGTTTTA
>EP77860 (+) Dm FS; range -499 to 100.

AAATACGGCCTTGGCCATTTTTCCGGAATATGGCACTCTACGAAAAGTTATACAACAA
TTTAGTACAACGGAGGACACCTTATTTGTAGATACTGAAACACTTTTTAATAGTAATCTC
TTAATGGATTCTTGTGCCATGCGATCGGTGTCATCCGGGATTTATTCGCAGAGTTAATT
GTGACATATTTCTCCTTTCCAATAGTCGGCTAAAGACGATCTACAATTAATTTGTAGGG
TGCCGAATCTGAAGCTATTGCCACCAATTGACAAGCGGCAACGAGACAACGAGCGATTA
GCATGTGCGCGAGTTGTAGTTTCAGATTTCGGAATCCGCAATCAGCTACTTAGGTGTGTT
TTCGTTTTTAAATTTGCTACGCAAGCGCCCATATTGCAGCGCAGCAGTTGTTTTCAAGGCG
CACTGCATCTCAACGCCTGGCTCTTATCAGGCACCCAGGGCAACTCCAAATCGCCGTGGG
CTCGCCAGGCGCTGGTTAGTCGTTACTCATCGTTTCGAGCGGTTACAACCTAAGACAGAT
AGATTAGCCAAGCAAAATGCTGGACGCGGAGGTGCGAGAATTATGCAACCCCTTGTGTT
>EP77861 (+) Dm ALPHA-TUB84D; range -499 to 100.

CACAGACTGGTCCCAATATAAAGAAATACATCTGTGGATTATTTCAAAGCATACTCATTT
CGCGCGCAATTAATCGATAAGTGCGCAAAATGGATCGATAACTGCGCAGTACTGTACTGC
TCTCGGAAATTAAGTGCCTTAAAAATATACCAAGCGGGTCAAAGAGTTGTTGTGTTTAC
GGACGGGTTGCTCCATTCTTTAAAAATATATGAACATAAAAAAATTACTTACTTCTTTTA
TCTCTATTTCAATTTATTTTGTTCATCTATGACCTACTGACTTAATGCAAAAATGCACTAT
TCGGTTTACATACTTTGTTTCAATTTTGGTAAATAGTAATAGTAGATGTTCTAAACACATGT
AAAATTACTTAAACGGAACATTAGTAATTTGACGCTCTCTTGAAATAGGCATTATTAATT
GTGTTAATATGCAGTTCACCTTATACAAGGCATTGGTATTATTGAACTGTTTGGTATCTTT
AAATTTCCACCGGCGGTACACTTAATCTACTGAACAAGCGTGCTTGTGCTAAATAATT
TTACTGATCTTTAAATCTCGTAAATACCGCCATTTAGCCGCATCTGAACACTCTTGCCGA
>EP77862 (+) Dm CG14206; range -499 to 100.

TGTTTTTTCATAAAACAAATGAGTGATTTTTTTTATAATTACAAATGAAACACTTGAAT
TACCGAAACAAAAACGCTTAAGTGTGCCATCACTAATACTTATTGGCAATAAATAAGTGC
GATTTTATGACAACAAAGACGTATCGATAAGATGCATGTGCAAAATGCGGTGTGTGATT
AACTTAATACTTGGCTAAGGCTTATCGATAAGGATATCGATACTAAAAAGTCCGGCACC
ATTGTGCTATCGAATGCCAAGTATACAAGACAAGCTATGAGAACGAATATAAGGTGGT
CAGTTTTAAGTAATTCAAAAATTTCTAAGTCAAATGTGTCGCAAGTGTAGTTACTTGAT
TTAATCGCGAAATTTACTCGTGGATTATGTCTTAAGATAATATCGATATATTGCCGGCGT
CATCGATTGCTGACACATATCGAAAGGTCCGGCCACACTGCTCACCCTCTTCTTCTGTC
ATCCCTTCCGTTTCCCTTTCTTTTCGTTCTCACGTTTCCGGTGAGTGCGTGTGCTCCGCG
AATTTTTAAGCAAACTCCCTATTAATACCTCCAATTCTTTTTTACTTGCAGCGGGA
>EP77863 (+) Dm RPL9; range -499 to 100.

TATGATAAGGACGCGTATATTAATAGACAATAATGGTTTTAGTAGGCATATTCAGTGGGC
TTAAATACTTTGAAAAACGTTGATAATTTTATATAAACAGTAACTGTGCTAATACAAGT
ATAATAAAAAAGCACTTCCCATGCCGGAACCTTTTGAGAATATAAAAAATTAGAAATGT
GAAGAGTATAACTCAGTTGAGCGCAACAGGTGTGTTATTCTCTAAAATCGGTAAACCTC
AAACTCATGAATGAATTCAGCATTTTCGAAGCTTTGCCAATGGATTTTATAATTGTGATTA
AAATCCACTTTCCGCTTTCCCAAATAGACTTGATTTAAGCCTTCTTTTCAAAAAA
AAAAGACTACTGTAACCTCAACACAGAACTCTAGCGCTTAACAGCACAAATGCGTAACGTT
AACAGCACCCCAACGGCACATGGCGCTCAAAATTTAGCGCATTTTGTGCGCCTCACACAG
CCACATTAAATTTCCCTTCTTTTCTTTTCCCGTTTCCGGTGAGTAGTGTGTTCCGCGTT
ATATTTTTATTGAAATTTTAAACCAAAATATCTCTAAAACACCCCTTGACGCGAGGAGT
>EP77864 (+) Dm ERP60; range -499 to 100.

ACTCAGTTTTCACTTGACTCAATAAATTTATTCATTGTGCATAGAACAAAAGTTGTTAG
CCTGCCCTTATATAGGACGCAATTAAGTTCTTAAGTGTTCCTAATTTTGTGAAAT
TAATTAATTAGTTATTAATAATATGATTATTGTTATGCTTGCGAAATCAGTTAACAATAA
ATGCAATTACCATCTTTTATGAAATGATAATTTGACAAAATTTTATTATAAATCGGTATC
AATTAAATTAATTTAAATCTAGATCTCAACTTTTCTGTGTGACTGGAAAGAATTATAGCT
AAAGCATTTAAACCCACACATATAGACATTAGTCATTAATAAATGATGAGCCATCTTTA
TTTATTGTTTACATATGCAGGAAAGCTCACAACCTGAGAGCTTTTCCAACCTTTAGACATT
TTCGGCTAGCCCCACCTGGCCACACTACGACGAAACAGAATAAGAAGCGACGTGGCGAA
AGAGGCAAAAAGCGAATTCATCGTTGAAAAATACCGAACCGGTCCGGTACTCAGTTTTT
GTTGTAGAAGTAGGCGTTCGACGGCCTAGTTGAACTTGAATTATTCACCGATATCGCTTC

>EP77866 (+) Dm RFESP; range -499 to 100.

AACCGGTTTGCATGGAACCCCTTTTCATCCGGGCTAAATCTATGCCACTGCAGTTTCC
AATTGAAAAGAAAGGTAGTTTTCACTTGAATGAAAAGGTGGAAGGGTGGAACTGAGCCT
CCTTTTCACCTTTCGAAGGAAACGAAAGGGGATGAAGGATTGAACGGCAAGGTGAAACA
AATGCAATTTAATTCGACGCAGGATTATCATTTCAACATGAAATGCATATCAATTTAAAT
TAAAGTAAAAGCTTTTATGCACTGCGGGTGGTTAACGAGCTACAATATCATTTGTTCC
AAAAATTATTTGAAATTCTATTCACCTATTTAAAAAACGTTACTGGGCTGTAATAGCGG
CCAGCTCCTGACAGTGAGCAATCGTAGTGGCAACTCTGAGAATGCAAATAGCTGGCAGCA
CTATACACTAATATATACTAGTATATTGTGGTATTTTTGCAGGTTACCTGGTATTTCTC
ACCCACTTGAGTGCGGTACACTGGTTCTCAGACGAAACGACAAACGTGCAAATTTTCG
TGATCATTTAATTTGATAGGGAAACATACAAAATGATGAACGCCGTGTCGCGTGCTTACG

>EP77867 (+) Dm CG10576; range -499 to 100.

ATAGGATTAGGTTTCTATTAATTGAGCTTTTGTTCGGCAGCCGAATTGGATTAAAGCAA
GTAAATGTTATTATTAACGTTCAATGCAAATTTTTTTGTTAAAGATGACTTGTAATATG
CATTTAGTCCAAATTCGTGCTAAGAAAAATACCGAATGCGGTATTCACAAGCGGTCACA
CTGTGATGGTATCGATATTTGAGCTCTTTGACTTCTATTTTTAGAGGGACCATTTATG
TGTAATAGAAAAAACCGAACTTCAATATTTAACTTTTTATTGAAATATTAGTGGATTAC
AATATGTAAAACCTATGAAATATTCTCATTTGATATAGCTCAAAGTGTTATTTAAATTCA
TTCAGTGTTTACGACTAGCAATCTACGCTTTTACGCTCATCTTAAGCTTACCGCCCATTT
GCCAGGGTTGTCAAGGCGAATGAGCGGTCCCACCATACACGCCACTGGAATTTTCGATAC
CTGCGCTGCGCTGGCCACACGTTTATTACCTCGTGGTGTTCAGTCGTCGCATTTTCA
TTAAGTCGCCATTTTAAATTTATTAGAGTCAAGTACAATGGCAGATGTGGAAAGGAGCC

>EP77868 (+) Dm CG2852; range -499 to 100.

ACCCTGAAGACACGACCCAAAGGATTGCGTGAAAGGGCCAGAAATCCAGGGAGAAAGTT
CTGGCCAGCAGGGAGAAGAAGAGAGCAGAGAAGGCAGCCAAGGATATGGACAAATCTCAG
ACGCAAAATAGCAGTACACCAATAAATAAAAGCATATTTTTTTACTTACTTTTTGTGTACA
GAACCGTCAATAAAAACAAGAGAGAATGCTACGTGCTAATGCAAACCTGGAATTTCTAATCCC
TAAATATTAATAAACTATACCAATAAAGTCAACTCTTCGAACTTACTTTGTTCTTCGTA
CGAAAACCTTAACCTATGCTTTTCGGCGTATTAACATTTGAATTTGAATTTTCCGCCGA
ATGTGTGATCATCAGACATCGTCATCGAATGGTCACACTTAAGCATCGATATTTTCGACAA
AAACATAAAAAACGATGGAACATCGATTGGCGATGCAACAAAGTTTTCTTACATCACT
AACAGAAACCGAAATTCAGTCGTGAAATATCCATTGGCGACGTGCTTGGAGGAATAAAC
TGAAGCGCTGTGAATATTTAGAACGATGAAGCTGTTCTATCCGTTTTCTGTTAGCCCT

>EP77869 (+) Dm CG3487; range -499 to 100.

AAATACGAAATCAAATCGGCCGACATGCTAAATCAAACCTAAATTTGGGAACTCGCTAC
TTGGCAAATTAGTTACTAAGAGGCAAGCTAGCTACCTGTGGCACCTGTTTCGCTAGTTAAA
ACCATTTTGAAAGCTTGAAAAGAGAGAGACATGGCAATTAAGGTGAAAAGGATGTGAAA
AGGTTAAAAAAGGTTTCAGACTCCTGTGGCGGTGCAATTAAGATCCAAGCTGAATCCTGCG
TCTATGGGTAAGCACGAATGCTGGCTTATAGCACCTAAGCAGTGTGCTTGCTGTCTTTAC
CTTACGATTCTATATTATTATTCGGGAAAAGTAACTCGAAAGTTTTGCTCACGATGGCAA
AAAAACGTCCACCAGTTGATAGCGATGTAAGTGAATCGATAACCGTCTTGATTGCGCGCG
GTAACACATGGCCGCGCTTGCCAGACTCGCTAGCAGCCAGTGTCATTTTTGGTGCTTTC
CTCGCCGCACGAGTTGGCATTCCCATAGCTGTCTTTATTTGTGAGGTTTCGTATGTTTCGT
CTGCCGCTCCGAAAATTACATAATTTTTGCGTAAATTGATTTGTTTAAATTCGACCCTC

>EP77870 (+) Dm CG5261; range -499 to 100.

ACATATACATATTTAGATAGACAAAAACATTCTTAAATATGAGCTATTTATATATAAGC
ATTTTCGTAATTAGTGAATAGTGTGCATGGTGCATAACAACTATCGAATGTCTACAAGC
ACGAGTAAAGTGTGACCAGACGCCTCACCGCACTCATTTCCATGCACCATTTTGTA
AGCCAAATTTCAATTGGAAAAATTAACATCTTTTTAATATCGTTGCTTTAAAAAAAT
CAATTGAATTTAAACGGAAATGAAAAATAAGAAATTCAGCAAAAGATTTTCGAGGTAAC
CAACAACCTTCATAAATTGCTGGGTGATGAAAAAATATCACAAGGAGAATCTCCTTTC
AAAAACTGTGATACCTCTGTCAAACATTTTCGTGTACGTTTTTTGAAAATAAATTCGCTG
AACCGCTAAAAAAGTGATGGTATGTTTCGGTATATTGAATACCGCTTGACATTTTTTG
GCGTTCCGTCTGCGTTCACTGACCTCCGTAAGGTTATCGGCATAATTTGTAAATTTT
CGACTTTGCCGTTTTTCGACTCGATTGTTAGTCAAAATCCGAAAGACGCGCCGCGTT

>EP77871 (+) Dm CG18279; range -499 to 100.

TATTTACTGCCATTGTTGGCCACCAATAGTAGCAACCAGAGACTTCCAGGAATATATTC
TCGTGTCAAATGCAATCCACTTTAAATGCAACTATCTGGCGGCTAAGAAAACCCGACAGT
TTGATTCAAGTCGACGAAACAATATAAGCACGTGCTAAATAAAGAGACCTATGCAGTTAA
TACTCTTGTCATATTATAATATAATTTAGTGACATAAGTTGCATGGTATACGAGTACTGA
ACAAGTTATGGCAGCTTTTCCAAATAAGCGATCACATATTCGCGGGATGATGGGTGGAT
TTCTAGCATATGTGGATGCTTAATGGCTTATTGCGGGTCAGGGCGGCGCAATCTGTTTCA
AAATTTCCCGAACGCACACCCATTTTCAGATCAGATTGTGACGTTTTGGGAAATTTCTTGAC
ATCGGTGTAAACAAGCTCAGCAACCAGATTCGATGGCTATGTGCCGCTATAAATACTAG
AAACCATTCGATTGCACTCAGTTGAAGCTGGGCTCTGGAACAGATCACAATGAAATCGTT

TGGATTGATTGCACTGGCTATCTGTGGCGTTATCTGCGTCGGTAAGTAGTAACCTCTGGA
>EP77872 (+) Dm CG30035_1; range -499 to 100.

TATGTAACGCAATAAATATTTATATGAAATTTCTAATAAGAAATCAGTTAAGCATATCTA
TGAATCAGAATGGGTTATAAGCCAAGGAAAACCTTTTCGCGAATAGAGTACAAAATGGGT
TTGGATGGTGCCACTGGGTCGCGAGTTGCGACTTCTCTTTAAGAACACGCGTCATCCTCT
CTCGCAGCCTCCAACCTGGCAGGAGCAACAACAATAAGAACAACAACCTATTGCAGAGA
CACCTACGACTAGGAGGCGTCCGACACACACATGCACACACATAGACGAGCCCCATTC
ATTCATGCCTTCTTTTCGACCTTCGCTCGACGCTCTGTCCCCAAAAATACTCTCTCTCCA
ACTTACCCATACAGACAAGCGCTGAGCGAGAGAGGGCGAAGAGAGCGCCTGTTTTACCGT
TGGGGAACAACAAAAGCTTGAGCGAATAACTCTTCTTCTCCGCGACGAAATCGGTGTG
CGCTATATAAACGTTGCGCATTCGAATCTTGAACCTCAGTGCCACAATAGTGATATCAC
ATTTAGTAGTTTGTTCCAAAGGTAAAAGACCACAAAAATCGCCGCAAAAAATATATCTAA
>EP77873 (+) Dm CG30035_2; range -499 to 100.

GAGCCATTTGAGCTATTTTCGCACGATGCCGCTGCGTTTGCGTCTGAGACGCTCATGCCT
TAATTGAAATTAACGCATTTAGTTATGACCGGACTAAAAATATCGTAGCTGCCTCTGA
TGGATGAACGTTTTGGATTCGAATAGATTGTGCGTTGAGCAGAGGTAACCTCTGACAGCT
GACCCTGCAACTTCTGTCTGATGTTTTGGCAGTTGCAGTTGCAGTTTGCATTTCGAGCTTCGC
TGC GCGTTTCGCTGAAAACAGCCTGAAACTGCTTTTGAAAATCGGCATAACGCATTTTCTT
TGTCTTTGCGTTTCGAAAACAACTGATAAGCTTGGTCTTGATCAAACACTTGGGAACAG
AATCTCCGTCGCTCGCATAAGCAATATCGGTCCGATCAGCACTCGGTGGCTTCGTGTACG
TGCCTGAGTCCCATAAAATCACAGCGAAAACTATTCTCGAATATTGGAACCTAGTGACA
GTGCATAATAACAAGTTTCAGTTGAGTTTTGACGAGCGAACGCGCCAAACGTATTCCATT
TCCAAGGAGCAAAGTGAAAGGCAGGAAGCTAACGCTGTATTAGCTACATTCGCCGCTTCG
>EP77874 (+) Dm CG11526; range -499 to 100.

GTATTATTGTTTGGGCTTACTTATGGCGTAATAGCAATGACTAATGGAACCTGGGCATTT
CTCACTTTTCGAAGCGTAATAAACTGAAACCGGCGACTTGCAAAAACCTTATTTATAT
GTGTAGGTGAAAGCACTTGTAATGTTCTGGTCTGGTCACACTAGGAGCACAACTTTTCCA
GAGTTGCCAAGTGTTGGTGGTTAAGCCCTACTTTCTAAATTTAAGCATGAAAGTAAAAGCC
TTTAATTAGAGCTTCAAATTTGATATATCATTACTATTGATTATCATTTTGTAAACACAA
AATATCAAAATGAAACAATCCCTATTCCTAATATTAGTACAAATCAACAGAACCCCTTAT
TTCAAATTTAAGCAGCGGCAATTGCATCAGTCGTCGCCACATCCGATCGAACGGCCTTG
CCAGACGGCCAAACCACTTTGCTGTTTGGTATTTTCCGACCACACAGCAAACGGTCGTAC
GAATTTTCTTCTTTTCCATTGTGCGTTTTTGTGTTTTGGCGAGAAACAAATTGCAGTCGA
AATTACCCAGTGAATTCAGTCAGTGCGAATTGCTTAGTACGTTCCATGTGCTACTAAGACCAAG
>EP77875 (+) Dm BCDNA GH06422; range -499 to 100.

CTCCAAAATGTTTTATATATTTTTTTTCTGGGTAACGGGTATATCATAGTCGAGAACT
GGACCTTATCGTTCTCTTCTGCTCTTATATGCAAAACAGATCAACAGATCAATGTAGAGC
GCAGATTATAGTTACAATTTATAGAAGACATCAATCACCCCTCGTTAGACTGTCCCAAC
CAATATACTGAGTCAGTATACTTTTGGGTATTTTTTAGGATTTTTGTACATACAAAAT
GGACGACTCATTAATAATTAAGTTAAAAACCACTACTTTGAATTGAAGTTTTTGGCATGC
CCATGAAGACCACTAAAATATGACGTCGGACATCGATTTTCAAGAAACGAGACCGTGTTT
TTGTGTGGTTATCACGATCCGTAGGGCCAGCATTTCGAGCAGAAATCGTCCCCAAAAAACA
GTTTCCCTGCTGGCTGAGACAAGAAAAACGCGTAGATTTGCGAGCAGAGCTATAAAAGGG
CGCGCAGACAACGCGCTCTACCCAGTTAAAAAGAGTGCCTTGTGTAGAACAGTCATAAGC
AGTCCGCTAAGAGATTAGTAGCAACTACGAAGTGAAGGTGTGTGTATACCAAATCTCAA
>EP77876 (+) Dm CG10743; range -499 to 100.

CCGGTTTCGTATTGTGCGAATTCAGTAGCTGCTCACCTTTTGGTCGCCATCGTATATTTT
TACCCTGTTGTGCGGCTGACGAAGGATTCATTGGGACTCAGACGGGCCTCCACATAAGC
GAAGCGATTCAATTCAGATTTTGTATTTTATCCTTAATTTGTTTTGTTGTGGCTCT
GGCTGGAGATGACACATCTTTCTGACTCCACCGTTCCACCTGCTTATTAGTGATGGTAT
CTTTTTTGTACAGTAGATATCGGGTATGGAAAACCAAATATAGCTGTACACATCTAGATA
TATTGCATACTTTGTCCCCAAAAATGTAATTAATGTGTTTAGGCATTTTTATACGTT
ACTTAAATTAATTTTGTGTTTTAAATTTGTTTTGTAGACTTTAGACCATCTAGCAAATA
TCGGATGTTGCTCTACACACAATTCTGCGTTTCGCTGACTATCGATAAGTGGCTGGGCTG
GTGTGCGAGAAGAAGAAGCAGAACGGTGCAGCAGCTTCTATTTTCTGTGATAGTTTTCCCC
AATTAGTGCTGAAATTAATAACCATAAATGCCATTTTCCCCTAAACAGTGCAAAATGAC
>EP77877 (+) Dm CG1943; range -499 to 100.

CTGCTTAGATGCAATCTGAAAAAACCTAAAATGAAACGTCACAAAACCTCAAGTGTGACC
TACTGCTCACAGGTGGTTTTCACTGGTTTCAGTCAATGCACTGGTTGAACACGAGGCTA
ATGTCTTGAATCTGATATTCAAGAAAAATATCGATTACAACATACCCGTTACTCAGCTAC
AGGGCGTTTTAAATAAAAAATATAAAAACTAGAAGTCAAAGCATAAATTCAGCATAAATAATC
TTGTACTGATCAACAACCGAGATGATATAGTAATGAACGTCTATGATTTAGATTTAGTTA
TTAAACAGTAATGAAGTACTTTTTTCAAAAGTTGCAATTCTCTTTCATAGATGGCGTGT
TGAGCAATCTCGACACTTAACAGTGCCAGGATACACTGCTGTTATATCAAATGGGACCAG
ACTAGAAAAGCTTCCCCTACGAACAGAAGACAGATTTTCGGTTAATTCCAATACTCTGCT

CCGGTCACTTTACACCATATTTGAAATCAACGTTCTGTTGGCAAGTGCAGCTCGTTTCCGC
ATCTCTTATTCGCAAGTTAAAGCCAGACTTCTTCGAGTAGAGCCGTATTCGGAGTCTCT
>EP77878 (+) Dm CG9380; range -499 to 100.

GCCTAAACTGTTACGCCACACTTTTCGAAAATGTTTTGATATTCTGTATATAAATTTCT
GGTAGTCTTGTAAATTTGTATTCATTTGCCAAAAGTCCACGCATACAGTTTGAAAAA
TGTTTTTATTTTCTTCGTTTTAATTTTTGTCTTGCCAATTTCAAACCGCCGACCACTGTC
ACACACACACTTTTGAACAATTATTGAATTCTCAATTTTCTCACTTTATTCTCAATTTT
CATCGATGTGCCACAGAAATTAACGGGAGTAACGCGTAACTGATGGTCGAGGAACTCTTA
TATAGTTTCTCTCTGTTTTATTAATAAATATATATTATTTTACTATTATATTACTT
TTCGCTATTGGCTTTACCACGTGTCTGTTTTCTATGGGTTTAATCTTATCGTTTTTAC
TGATAAACATTGCTTAAAAGATAAAAAGCGATTGCTCATGGGCGAGGCACAGGTGTAGTTG
GTCAGAAAATGAAACACTCAGTTCAAGCGAGACAGCTGGTAAAAACAAGGTAGTGTGGTTA
GTGGGTGTGGTAGGATGCGGTAGTGAATATAAAATCTTAAGCAAGTTATCAACGGTTA
>EP77879 (+) Dm OGRE; range -499 to 100.

CGTAGGCCAAAACAAGAGAAACCCGAAAATAAGTGAACAAAAACGAAATTGGAGTTAGC
CAAGCAGGAAAAGAAGCCGAGCTATCTGTAAAATAGGCGGCTCAAAGACTTATCAAGGGG
GGTTGGAAAAACATATCTCTGGGCAATGCTGCTCCAATTTTATGTTTCATTGCTAGCGAT
CAGTTTAATTTAAGCCTTAATTCTGTTTTAAATAAACAAATGTGGAGAGCGGAGAGAGAGT
GAGAGCGAGAGCACAAGAGAGAGTTGGAAAAAAGAGCGAATTAAAAAACAGAACTCTC
TCAGCTCATTTTTTCATTAAAAACGTAAAATCAAAAATGCTTACGCATGCTAGTAATTGAA
GTTTCATAGCCAGCTGTTTCGCTGCGAGCGCAGCGAGAGAGCACGGCTTGGAACGGAGAG
CGGAATGGCGCGGAATGGGAAATGGAATGAGAATGGAATGGGTTTTGAGTTTTGCTGTGA
AATTTGAAAACCAAGCGGCAGTCGACGGCGACGGCGACAGCGTGCTACAAAAGCCATTGC
GAGCGTCTACGCGGCGCTCGAAAACACAGGAAAATTATAAGAAAATTTGAAACACAGCG
>EP77880 (+) Dm CG2051; range -499 to 100.

AGTTGGCTGCGGGATTTTGTAGTGTTGAAAAGGTGAATTTTGAAGTGATAGTACCAGAGC
GAGATGTGTACAGTCAAAGATATTTTTGTAGGGATAAAATTACGTTCCAAAGGGTTTTT
TTTTATAATTTCAACTCAAAGTATGACTCAAAATTTGTCAGAAAAATGGAAGACTGCGAA
ATCAAGAAAACATCGGTAAATTGCGCATAGGGTTGTCAGAGGTTTAAACATCGAAACAAC
ATAATTTGCGTAACCTCTGATTTAAAAACAACAATTTTTATGGCAACAAAATGATATA
ATTACCTTTTTTATACAAATCTCATTCTTTCCAACCCTGCAATCAACACATAACAGTTA
TATCTTCAATCGTAATCTCAGCACCAATAGTTAACTATCGCTTAAACGACACATCTGAC
AGCCCAATCCGTGGCTAGTGTGTTGTTAGTATTACCGTCTTGCGTTGTCCAACATTG
TTGGAAAGCCAAATCACTTTGTTTAGCCGCGAAAATTGCGCTAGAACGCTGCAAAAAGCT
GTCTGTTTTTATAAAACAACGTGATTTTTGATTTTTAAAGCAACAAGTTAGCTGCAAACTA
>EP77881 (+) Dm CG12213; range -499 to 100.

ATCAATCGTAGCCGAGATATTGAACTCACTTTGCTAGTTGCTGAAAAGCTCGATTAAT
TGACTCCGGTACTTTGAACCTAACGGCTGCTGCGGACAAGCAACACTTATTTGCGGCTA
ATTAAGCTAAATTAATAATTTATTGATATTCTCTTCGCGCTCGCCGTCGATTCTGGT
CAGCGGAGTGACCGTTTCGACACCTTTGAAATATATCTACGGCTCAAATTTGGCTATCGCC
TGGTGCCAAGCTGGTCACACCGGCACCTTGAGCTTGCTTGTAAAAACATAGCAAGCCT
TAAAAATTAATAAAAAAAGGAATTCAACAATTATATTATTGCAAAGAACTGCGAACAT
TCATAATTCAAGACCTTTTAAATTTCAAAGGGGATAAAAAATAAGTATAAAAAAATAAT
ACAACATAATTCATCGATAGGCAATCGCTACTATCGTTACGACGATACCATCGTACCAGC
TCTAAAGCAAAACAAGAAGAAAAACCATCTTTTTCTGCAAAGGAAATAGTTGCAATTTG
TTGATTTACTAGCTTAAATCGAGTGAAAAAGTTCGGCTCGCTTCGCGCGCTCAGGGC
>EP77882 (+) Dm CG10217; range -499 to 100.

GGAAACATTTTTTTTTATAAATTAAGCTTTATTAATAAATCTCATATCTAATTGTATTA
ACGGCAATGTGTATGTAATAGCTCAACTAGTGCTAATTAATAAATTTAACTTGAGGTTCA
AGTAATAATATTTTCATTACAAAATGATGGTTGGGTTAATCTTTTACAGCTCTTTGTTGT
CTGAGTACGTGTCATTAAGATTATAGAGTAAGTCTAAAAAGCGTTTTAATAGAAACGATT
TTTCTTAGGAATTGTTAAAGAGTTGATATTATATATTTGTATTAGCTATTGCATACAAC
GAAGTAGTTATGCTGCATACAGCATAAACTTGAGTCTAGATTATCCAGGAAAAGTCGTAA
AAAAATACATATATGTAATAATATTAATCTCTATTTTTAAGTTCAAAAAGTAACGCTCA
ATTTGATAAAGAGTGGATTAATAGCTATCAGCCAGTGCTGTGCAGCTAGCTCTTCGTTAA
AGCCAGTGTTAGTAAGGTGCGCTTTGCCCATATTGGTAATTTGTGTTTGTGCGTGT
TGCTATTGTTTCTGACTAAAACCGCCTTTGGTTGCTTCCATTTGAAAGTAAATTGTAATA
>EP77883 (+) Dm CG8830; range -499 to 100.

CAATCGATCTGCAAAAATAGTGACAACCTTGCCGGATTCTTGATTTTTGATTGTATATAGG
CGAGTATCTTACGCTCAGCAGAAATGTCCAATAGCCATTGATCTCGTTGACCTCAATTTG
CCCTGGGTGCATCGTACAGATTTTTGTGAATATAAATGTTTCCTGTATATATTTGCGAT
ATATTCGAAAGCCGAGTCAAAACAACATAAATAGCCATTGCGAGCGAACAGCTGTCATT
TTTCATGGCAACGCCATTTTGGGAGGCCTATAGACGTTTCAGGCTTCCTCAATTTTACTG
GATCTGGTAGCGCTGTTTGAAGACCTAACTTACTATTTTATGGGCTAAATATAACAACA
TAAATCAAAATACTATTATTTGTTTTAGTATGTATTACTACCATATAAATGCAATTACA

AATTTTGTGCCACCTCATTCTCACCCACCCGACTTGTCTGTCAGAGTCGCCCTGCCCGT
CATTCACTCTGAACGTGTGATAACGCTTTCTACTGACTCAGTAGACAACATTAACAAATC
CGAAAAATATCACAAAGAATTCGTTTTAAACAGTCAAAATTGTAGTTTTTAGGGCGAAT
>EP77884 (+) Dm CG7023; range -499 to 100.
GCACTGCAAAGTCCGTCATCTTCTGCACCTCTGTTCTACCAAATAATTAATAATACG
ACTATTAAATGATTTATTAGCATTTCTTTGGATGTAAACAAATTTGTTGGCCTTTGATTG
CGGCGTCAGCAATAGGGTTGCCAAGTCAACTGAACTATCGATATCCAGAAATGTTTT
AAGGACATAGTTTTTAAAGTAAAATGAATGTCTACAATTGATGTAGAAAATAAAGACTT
TCTGCCATTTAGCTGCAAATAACTTAAGAGGAGAAGTAGTTGTGTTTTTAATAACTTTTT
GTTACCTGGCAGCCAGGCAGCAAAGCAGTGATTGAAGTGTACTTTCTTAGGCAGACCA
TGTCAGTGCATTTGCAGGCAAAGCCCTGCAGTAGTAACCATTATTTTGTATGACCATCCA
TGTGATGGTCACCTATGCGAGTAAGTGTTCGCCGAGTTTTACTTTTGACGCGGTGTGCA
CACACTGGCCGATCCAACCATTATAAGAAAACCAACAAGAAACGTCGAAAGTTTTCTCCG
TGTTAAAGCCAGCCAATAGCCAAATTACAAACGAAACGACGATTTGCAATTTGCAAATT
>EP77885 (+) Dm RBP2; range -499 to 100.
TCGGAATTAGGCAGAAAATGCAGTTGTCTGTCGCCATGACTTAATTTTAAGTTCAGTCT
ATATAAAATATAGCAGTTTGTACTTTACAGCTGATTAGTTGTACTGTGATAACGATAA
GAAGTATCCTGGTGTCTCCAAAAAATAACCGCTAAATAGATTTTCAGTATTAAAAA
CCATTTGTGTCCAGTTACTTTTAGTATTATTTTTTCAACAAAAAATTTATACAAACAT
ATGTATTCCTCTCTATGTATTCAATGTCATTTTTGAATGTTTCATTAGAAAAGGAACAAT
TGTAAGATGCTAAACAATAAATATTAATCGATATCTGAAAATTGGACGCAATTGGGC
ATGCGTCCCTGCTAACGACCAAAATACTAAGAAAGGCGGCTATCAGCTAATTGGTGTGGT
GACACTGCCCCGACCAATTCGCCGCGATAGTATTTTCGCCGTGTGTTCACTGCGGT
TTGCAGCGAATTCGCTCATTTGAAAAAATAAATCATGGCTGGAAGAGGTGGTTATGAAC
ACGCTAGGTAATATTATTAATTATTTTTGCAATAGCGTACGCTCCGCGTTGGCCGCGAA
>EP77886 (+) Dm CG6597; range -499 to 100.
GGGAAGTTCGCGCCACGCTCCGGAGTTGGTGGACAGCGTGTAGACGCGCCCTTCACTGCT
GGCGGCGAATAGGTAGAAGCTCGGCATCCTGAGATCTATTACTAAAGACCAAGGGGCCCTC
TTTCTGTCTGGCATCGTGTTTACAATCAAATTGGAAAAATTGATTTTTCTGAAGAATAGA
CCTAGACAGTCAGTGATGGCACACCTGTTTTCCGAGTCCTAAGCGATAGTATCGTTGTGG
TTGTTGTGTTTCCACTAAAAACAGCCAAAATGCAAATGTTTAATTTTTATTTTATATC
TTAAATTTGTTGTTTATTTGAAAGCCGTTTAAATAAAGCATGTCAGAAAATTATGTGT
TAACAAGAATGTGTAATAAGTAATTCGAAGGAAATGCGACAGCCCTGTTAATTCATAGT
GCCGTTAAATTTTCGAAACCAAGGCTCTATCAAATCCAAGACACCGATAGTCCTTGCCCC
ATCAGTGTTAAATGTATCGATACTATCGCGAGTGGCCAACCCAGCTCTAATTGACGCCAA
GAAATTTTGATTGATTTTGAAAAATATGGTAAAAATTGAACCGTTCTTTCCCCTAAGTGC
>EP77887 (+) Dm M6; range -499 to 100.
CACGTCCTGGTCATCTCTGTACGGCTTTTCTGGCTGCTTAATATGTGATCCAAGTACTG
GCACAGCCTGGAATGCTGCTAATGCGGCATCTATAGTGTAGCTTAGTTTCTATTCGCAA
TAAATTCACCGACGACCAACAGGCGATAGAAGATGGCTAGAACTATCGGCTGCACCGAGA
TCTATCGATAGCCGAAGATTAAGCTGGAGATAGATTTTCGACTAGACAGGGTCGGAGCAA
AAGGGGTTGGTAAGTACCTAGTTCGAATTATATTTAGATATATTCCACAGAAGGTCTC
CCATAACAATATCAACTTTTTAACTTGTGCTACCTGATTTTGATCGCTGTAGAATTAGT
TTGATTTTTAATTACAAAAAATAACGTAAGAATTTAGTAAATTCAATTGAATTGTGACC
AGTTTTTAAATAATATACCGAAACATCGATAGTACCACCGATAAATGTATCTTCAGCACT
TCGATACGCTCGTTATTGTGTAGATACTATTTGTTTTGAGCGAATTCAGTTGGCTGCTT
CGCTGGCCTAGGATAAATTCGCTGCTGGCGGACAAAATTAAGCTGAATTAGTTAACCA
>EP77888 (+) Dm CG30296; range -499 to 100.
GTCACGAGATATTCGGTGGTCCAGCGGAAAATGCGTATTTATAAATTGTTAATTTTATA
ACACAAGAAGACGAAACATTGGAGCTGGGTGGACCACTCACGATGCTATCGATAAATC
GAATAATTTTAAATTTTCGATAAAGGGCAACAGTGCTGAGCGAATTAATATTTGTATATCC
GCATTTTACGTATTACCGTTATATTGGATCCTTAGTTGATCCTTAGTTATATATAGTTAG
TCTAGTTTAAACATCATAATAATGCATAATAAAGTAACCATTTTACGAACCAATATATAT
TTGACCTTTATATTAATAAATGTGATTCCATTTAAACAATTACAAATATACAAAA
ATTTATTAATCCCATAAGCCTTCTATCAGTGTAAGGATCCGTTAACTTTAAACGATAG
AAAAGTATCGATAGCACTCGCATGCATCGATTGACAGCCAATGCTGCCCATCTCCGTTTCG
GTCGACTGAAAAATCAATTATTATTGCTGCTGCTTTCTGGCAGAGAACTTATAACGACA
AACAAACAGTTTGAAATTAGCGTAATTAGATAAGAAAACGAACCTTTGAAACCAAGGTGT
>EP77889 (+) Dm CG5953; range -499 to 100.
AGTCAGCCTTCACACAGCAGAGGTAACAAAGAAAAGCACGCATGATGCACATCAAATATA
TATCACTTACGTGATGAGAAAGATTACCAACATTTAAGTAAACGGAGTTGTTCAATTTAA
TAACAGACAATTTAATTAAGTTTTTGTAAATTTTTGTATTTTATGGCAACAACGTGTTTTG
GCAAGAGAGCAAAAGCTTAGGTAATACTATTTCTTAGCCGCTCCTGTATGTCTGCCA
ATGTTTTTTTTTGGCGCGCACTGCACTGCTCTCTCTCTCCCGCAATAACTCTCTCCGC
CGCTCTCTTAACCCCCACCCACCCTCAACCGACGTTGTTGTTGCCTTAAGCATGACAAG

GCACTGTAGAATTTACAACAGGCCAAAGAGAAGCTTCATTACGATGTTCTGTTTTGTTTT
CCACGAAACAACCTGTTTACTCTGCCTCTGCTTCTTCTTCTGCGTCGGCAGCGCAGTCGGT
GCGTTTACAAATCGATGCCAATAGGTTTGCAGCTGTTTGGCCGAACAGTCGACGAAATCC
GGTACTCGCGAGCGGTTGTAATTAACGGTAAAGCTGTAGTTGTTTCGATGAAATATTGCG
>EP77890 (+) Dm CG5278; range -499 to 100.

GACAACTATTCAAGAATATTTTATGATTCTTTAATTGTACAAAAGGCTGCACAACCAAA
TACAAAACGAATTAAGCCAGACGATTTTGGCCAACAACAGCAACAAAAGCCGGCAAC
ACGCACACACAACCAACATTGTTATCGCAATTATCATAGAAAAACGAGACCATACGAG
ACCATTCGATACATTTTGTGTATGTAGCATATAGCATATAGCGTTTGGAAATCCACGAGGC
ACAAAAGAACATCTTAAAGCTAAAGCTAAAGTCAAAGATGAGGATGAGCAAGATGCCAAA
TAGCCGAGACAAAAGTTCCGGCTAAACAAAACTAAAGCTGAATCTAAACGCCGAAGTGA
GATGAAGTGAATACAGATACAGAAACAGATACAGATACAAAAACAAATCGGAAGGCAGAG
ACGAAGAAACAGCAGTGCCAAATCGAACCTTTAGTCGAAATTTTATACATAGCGCCGTA
CAACTCGGCGGAGCAGTTCACTGCGCGTACAAGTCTCGTGGGTAGCGGATGCCAGCAAA
GTATCTCCCACTATACAATAATATACCATACTAACTATACTATACCACACCACACCAC
>EP77891 (+) Dm CG6330; range -499 to 100.

TATTTGCATCTAATTTGCAAAATACAGAGTTGAAGAATGTGTAGCGAAATAGGTATCTCA
AAAACCCGTTTAAAATATACAAAACCAAAATTCAGCCAATTTGCATGAATTTAAAGT
TGAAATGTTATACTAATGATTTCGGCTAATTGGACCTGATCGAACACCCTGTTATACAGC
GAATAAAGCAGCGAAATTTGAATAATTGGATTACGCAATCCGTTATGCTCGGCTGCAAT
TTCGCTCAAGGCTCGTGGCAATTGCACTTGATTAGTGATGCATAAGTCGCTCTGAAGT
GATAACAATCTGTATCTATGTATGTATGCCATTCTATAGAGGTTTCTATTACACGA
CCATACAGTGTGCAATATATTTTCAATTTCCACTATCAAATTGCGCAGCATAAATTCCGAT
TCGCCGAGAAGATTGTCTTATCTACACAGCTCAGCAGAAGCGGCCTATATAAAGGCCGCG
GAAACGCAAGAAATTTTTTCACTCTCGCTCGAAGCGTTGACGTGTCTACACGAGTAAC
GTTTTGTTTTGGCTCGCTGGCTGCTCCTTCGTCTGGTAGTTGGTAGTTCGTTTGAGTT
>EP77892 (+) Dm CG31160; range -499 to 100.

TATTCAATTGTCGTTATGATATCGTTTATCGAAAAGGCTATCGATTGAAAATCCGCTCT
TGTGGGCCAGATTTCAAAAACGCTTAGAAGCATTTGACAATTCAGCAATTTACGTAGTA
ATTGCGAACATTTTAAACAAATAGTAGTTAACATACATTTTACAAAAATATATTTTGC
AGGATTTATAATCTCTTTAGAATTATTATTTCTGTATAAAATCCCAGAATTTCAATCCTC
TCTAACGTTTTTCTTTGTGATAACAGTTTTGATTGTTAATCAAATTTTATAGCTGGAAT
TAAAGTTCAGCAACATTTCTGTTTGTACCAGTGGCCAGTGAGACCGTTTCGCTGTGGC
GCCATAAAAACCAACATTTTCACTGTTCTCCTCAAAGTGGGGGGGTGGTGGCTTCATTATC
AGCCGGAACGTAACAGCGTCTGCTGCTTTTACGCTTTCCGATAAAAATGTTTAAATCAC
ACTGTGTTAATTAGAGCCCAATCAAATCAATGCGCCCGTGGACGCGAACGACTCGAGA
TCGTGTGCGCGTGAATGCGGATCGAGTAGTTGGTAGCTAGTTTATCAAATTCGAACCTT
>EP77893 (+) Dm BEST CK01140; range -499 to 100.

TTAACATGGTTTTGTTTTATGTGATAGTGCCAATCAATATATTTTAAACACAATTACATT
TATATTTCCGAGTGTAAGAAACGTTTATGCTCTTATCTCATAAGAAGGTGATCGTCGC
AGTACTAACGTAAGATAGGCAAGCAAAAGATAAGTTGATGCGACAATTCAGACAAACAGC
TGACAGCTATCTTCAAATCTTCTCTTAAATAACTGTGGCGCTGAGATTTTGCCGCA
GTTCAAGTGTAACTTATATGTAGGCATAACCGATTTTCTAACATTTTAACTAAAAAGAAA
AGTGAAGAGGTATTACGACGTAAGAGAGATATGCTACACGAACATTTGTGCTAGCGCGGC
GTAATAAAATAATTTATTTTACACTACATGTGAAAATACATCGATATTAGAATATTACA
GTTTTGTGAAAATAAGTGATTTTCGATAGTAAAGTTTGATATATCGATATATTTCCC
TGTGGAATAAAATACTGCTGAAAAGGAAGGCGTCACAGTGTGAGTACTTTATATTTAA
TATTTGCTATATATTGTGGCGTTTAACTTGAGTCGTGTACAATTATTTGCTTCTAGT
>EP77894 (+) Dm ARI; range -499 to 100.

ATATGTGTACTTTATGAAGTCGGAAGCGCTTTTCAACGAATCTAGTATACCCTTTAATTC
CAAGAATAATTAATAATGTTTAAATAACAATATTTATTTCAAACAGGTTTATGTCTCGGA
TTGGAATTTGACACTGTGGTTCGTGCTTTGAATGGATCCCTTCAAGTCTTGTTCTGTAA
AGGGATTTTCTCAAAAACGTTTCTGTAAATTAAGCGCATGTCTCATTTTAAAGATAATC
TCTTTTGATGAATACACTGAGAATCAAGAAAACGTTTCAATGGAAGCTCACTTGTTTTGA
ATCTACTGTTTCCAGCCGTCGATAAGTCACTATTGCTTTTTTGGACCCATCGATAAGC
AGATGTTGTTAAACATACGATTTAACGGAACGGTATGAAACAGGCGGCAATCGGAACGAA
AGTAAATGGGAAAAAGCGCAACATGCGCACACACTTTCACGCACACTTGACTCCACTG
TGGAGCGCGTGTGTGTGTGTATTTTTTGGAGAAAAGCAAAGAGAGCAAGTGAGAACCC
AACACCGATGCAAAATATTTTGTGGCTTTACGGTATGTTTTCTGTGAAAATTCATTTA
>EP77895 (+) Dm DRL-2; range -499 to 100.

CTGATCCTGCTCCTGAAACCTGATGGAGATTTAGTGTCCAGGGAAAAGCCACTCGAATCC
ACTTGAACCTCGGCCGAGTTATGCAGATTTCCGAGGGAGTTGTGCTGATTTTTCTTGTGT
TTATTAGACCGAGTTTCTCTAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGTTTTTATCTATTTTGT
TTCGGCAACTGTTTCATGTTGTGCGGGAATAAATGTGCTGTGTAGGCTGAAATTTAAGC
GAGCGAACCGAGTTGGTGTGCTCTGCTAGCCCCATTCCATAGCCGACTTCTGTTATCT

GGCAGCAGACTTTTGTGTTGCCCAAGACGAGTTCGCAATTTCTACAGCTGAGCTCCCCAGT
TCCAGCTACGGAATAATCAAGCTCCCCATCAACCGACGGCTGTGCAAAACATAATGCTCGG
CGAATTAAGCTTTTTTGCCAGCCAATAAATTATTCATGCTGTAAGACAAGCGAGCGGAT
GGGTGGGAGGGGGGGGGGGTTCGAGGGGCTAAATTATAGCTGAAGAAGATGTGGGAGTG
CCTTGAGCGGAAACGGAACCTCAATTCATTAATAATGAATGAACGGAGGAGCGCAGCCGAG
>EP77896 (+) Dm CG13188; range -499 to 100.

AAAACAAATATAAAATCCAGAACCGTTAGGCTGCCAAAAATCTCGCCTAAAAGCTTTT
AAGTAACGAGTTGATAATAAAAAATTAACATTTTGGATAAGCAAAAGAAGAAAAAAC
GACAAGAAACATATGCCGATGATGTAATTAAGGTGTAGAAAGCAGGGAGATGAGATTGAT
GACCACCAAATCTTGCTGGGAATTCAACAAAAATGCAGCCAAAAGAGCTGCCTAAGAGA
GCGCCCATTCGAAGAGCTAGAAATGCGCTCTTGTAAGGAACCTTTTTCCAAAAAGCTTCG
CCAAGCTTTTAGACACGCTAAACGCTATTAAGCCAACCTTAGCCATGAAGCGACAAGGTAA
GAAAAAAAAGACAGGTAAGAAATACCGAAGCAACGTAACCGAACCTACGGTAAGAA
AAAAGGCAGGTAAGGCCGCCAGGTAAGCTCGGCTCTGCCGCCACGAAAGCCCGGCTCTGC
TTTTCGCTTCGATTCTTCAGTCGAGTCGCGAAAGTCGTGAGTGCCTTTGGTTCTGCTGG
CTCGTCGGCAGTGCAGCTAAGAAAGAAAAGCAAATCCCAGCCAATAAAAAATATTATCA
>EP77897 (+) Dm CG17184; range -499 to 100.

GGAGTAAGGCGAACTGCGGTGCTTATGCCAATTGAAATAGGCGAAAGCGCAACGGACAC
CAGGCCCAAGCCTATTATTAGATTACGTAGACCATTTCCGCTGGCTATTGGCCTAAGT
AACGTGGAATAGAAATAAGTAGAGATTTCCATGAAATCCCCAAAAATTAATCAAATTT
TCCACTTTAGTGGGACCGCAACTGGTCGGCACTGAAATCCAAATAGAATTGCTTGCCA
CATCAACTGGCCTATTGATCATGATCAAGAATATATGAAATGAATAAAAATTAATG
CTGGTGCCGAGAGGAGAGTCTCGCAGCAGTCACTGTCCCGCCAAACCACGTCCCACCG
ACTTGACCTGCAGGACAGGACTTCCCCGTGTTCCAACTCCACCGTTCGCTTTAAAT
ACCGTGTGCGACAGCCGGTATCCAAGCAGTCCAAGTGTGGCATTAAACACCTACTCGCG
CACAGTCACACCGATTTTCAGTTCGTGAACACAGTTTGATGAACCTTTATGCGGAATTTTA
GGGATTTGAGAAATTTGACGAGTCCAGGCAGGGGTTACTAAAGTCTCGACTCGCCACGCG
>EP77898 (+) Dm CG2467; range -499 to 100.

GGTCCTGGGTTCTACAAACCGAAGCTTCAAATACTCTAGCTCACATGGTAATTGGTCTAA
CTAGTAGTAGCACCTGATCTCAATGGAGCAGAGGAATTAAGAGATGGTTTGATTGGTT
ATGTCGCCTTAATAAAATGTGTAATAAAATGGCATTGTTATTAGTAATAATAAATGACT
GTTCAACAGTTATTGCTTCGACTGCATTTCTAGCCAAGTTATGAGAAAGAAAGCCAGTT
AGTGCATACATTTTAGACATCTTCGGTTCAAAACCCGCTCGTTATAGCCAGATGATCATCT
CCGTGAGCCAGAGAGCCAGAGAACTAGAGAGCCGGAGAGTTGGTAGGTGGGAGAGAAC
GAATGATAAGTGCACAGAGACCCAACCGCAGCTCTTCAACCTGGCAACCTGGCTACCTGG
CAACTTGGGAGCTTGGGAGCTTGACTCAAAAGCTGTGGGCCGAGAAGGCCGATCCAACCA
GTCTGGCCCAAAGCAAACAGTCAGTTGCCAGCCAGTAATCCACTAGAGCGGTTCCGGGCA
CGGACAAGTGTAGAGACAAGTCTGGTCTCAGATCACACAAAATTCAAAAA
>EP77899 (+) Dm RPS26; range -499 to 100.

GTAATTTCTAAACAAATTTAAATCGTAAGATTGCTATAAAATACGGGTAATTTTCAG
GAATATCGAAGGATATATTATTTAGTACATTAAATTAAGCAATTTATAGTTATGTTAT
TCATCTCTTTTTTAAGAAATGTCCCGCTAAAAACAATTTTACTTCGATGTGGAACCTGG
CCACACCATGTTGCGTTGCCAATTTCTAATCAGATTAAAGCTGTATCTAGCTAATAAGAT
ATGGATATATAGCTAAATGTGTAACCTTTATCGTTTTTACTAATATTCTTCAGGTGACAT
TTTTTAGTGTAAGCAGTTCGAATTTCCAATATATTAAGAGTCTGATAGATTAAAAAGG
AAAGCAAAGAACTTGAATACCAACAGTTTTAGCGGGTAAAAATGTGAGCCCTGGTTG
CCAAACACGCTAGTCGCTCTGGCTAGGTATTTTTAGGCCGTTTATCCGAGTTTCGCCGG
GTGCGTCCACACTATTTCTTTCTTTTCCGTTTCCGAAACGTGAACACACGCGGATTTG
CTGGGCGGATTTGAAATTGATAAATAAGGTAATTATGGCAGCCATCCGCTGAGCAAAGG
>EP77900 (+) Dm CG17108; range -499 to 100.

TTCCAAATATTGCGTTCTCCCTAGGGTATAATGTAATTTCCGCCTGTAGACAATCGAGAA
TATTAATGGAACCTGTTGTGTGTTCTCCACGGGTGCAAAGTACACTGTGCTACAGGT
GTGCACTCTCATTTATAATTAATATACTATAATTACTGTTTTAAAGTTTTTAAATTT
CTCAATATACTAAATTTGAAGAGACTATTGTGGATTAATTTTTGAGATGGTATACA
ACTGAAATAAAATCAAATCTTTGTAACAAATATTGTAAGTAAATGGATTACTAATCCA
TTTGATTATTCTTTGTTGTCCAGTGCAGTCTGAGTTTTTGCCTGGCCTGACCCTAGGATC
CCAGCATTGGGAACGTGACTGAGTTCTGTTCTTTTTTCGCGCTCTGCGAAATTTTTGCAA
GTATTTTGCTATTATTTGTGCTTTTTGCACATCGGAGAGTCTTTATAAAAGCCGGCATC
TTTCCAGGGAGCCAGTTAGTCAGCTGCAGGCAAAGGTTCCGATGCGTCTGTTTATAGTG
CTGAGTGTGTTGTGGCGTTAGCTTCCGCCGGAGGTTACGGCGGTGGAGGCGGAGGTGGT
>EP77901 (+) Dm PTC; range -499 to 100.

TTTCATAGTTAATCGTATAGAAGTATGTTAATCTGTTAATTTAAATCGAGCTAGAGA
GCTGAATTTTCTCCGTGTAATTTGATACATTTCTACCCATCATCTCCGGTCTACCTGC
ACCTGCTGTTCCCACTGTTTTGTTCTTTTCGGCCACCGGTCTGCCCTAGCTCGATCT
CATTGGTTGTCTGGGACCTGGGTTCTTCTGAGTCCGCTTTCATTTCTCGTTTCTGGGC

AACGGATTAAGGAGGCTGAAGAACCTCGGCGGCTGTGTGTGCGCATTTCTAATGAAGCTG
TCGCCGTAGCTGAACAGCAGCAACAAAGAGCTGACATTTTCATTTGAAAATGCAGCATAG
GAAACCCCGGGCAGGATCATAAATCAATGCGTGACATTTCTCACAGCGAACAGAGCTG
CGGGGGTGGGCAAAAACCTGAATCTGAACTAAAACTGAATCTGAGGGCGGTGAGCAGGG
AAAAGTGGCACGCAAGGCAAAAAAAAAAAAAACGGCACAAGATTGATGATATGTCACACA
GCTCGAGCGGCAGTTTTGCGAAGGCCTCGCGAAAGAGACGGCTCGAGCTTAGCGAAAGAG
>EP77902 (+) Dm BL; range -499 to 100.

CTGCTTACCTCAAGTCGGCAAAGATTTGTTAATGGCTTCCTCGTAGGCCTGTTTCACCT
TTGGTCCCACACCTCTGTGGCGTTTAAATGCGGCTTCCGAATCCTCCATTGAAATAATTT
GTTAGTAAATTCAAATTGTAAACAAAACAAAACAATGCCACATTGGTGTGACCAGTTGCA
AGTTTTCTGCAAAACACCAGGCCGATAGAAATTATAGAGTATGGTGACAACCTGTTATTG
GTTTTTTTTTGAGGTATTTCCACTAGCTCTTATTACTCATAAGTCCCTTGTAACATAAGT
GATGTTGAAAATATAAATATATTTTCATTAGCGGTATGGTGAGAATATGTGCCTTTTACA
TTACAATGTCAAACAAAATGAATAAATACCACCGAACAGTATTTTTAAGAATAAGTGTTA
AACCACCGTTTTCAACCATCATATATCGATAGTCCAGGTATCGATGACAGGGTGATACGC
CATTTTCCAATTCCTCTCTAACTTTTGTGCATTTTAACTCAGCTCTAGTGTGTTTGTGCT
ATACATATTTGAATAATATTTTACCAGCCAGTGTTTGTGGCGGACAAAATCGTGTTGA
>EP77903 (+) Dm EMB; range -499 to 100.

TTCGCCGAACCTGCTACGTATGATGCTTACATCGATTAAATCGATTGTTTTGAATTATC
GAAAATAAGCGATGCACTAGTAAATTAATATGATTTATTTTAACTTTTATCTGAATTAC
TTGCATACTTTTAGTGTTTAAATGTAATAAATCAGTAAGATGCAGTATTTTGTAGCTGAT
TCAGGAGAACAGATCAAATTCAAATATATTTATGTCAATTTATGCATGCATGCTACTGG
TTTGTGTTTTCCATTAATTAACAGATAATATTTTTTGTATTTTTTTTTTAAACATCGC
TGCTTAAACATCGATGTTTTTCGATATCAGGGACATCGATGTTTCTGGCAGTAAGTAAG
CCAACAACTAAGCATCTTCATCCATGCCATTTGATTATTTTATTCGATCAACGTTATCG
ATCACTTTGCGTGCATGCCTGTAGACCAGGCTGTGGACGTATGTTTGTTCAGCACCATA
CGGGCACACTGTTCTCACAAATTGCATTTTCGATTGTCCGTCGTCGTTTTTCACACGC
TGCTCTTTTCTGGAATCGGTAAGGTAAGCTTGATATGTGAATTACATGTTTCATGATTG
>EP77904 (+) Dm BIP2; range -499 to 100.

TTCGGTAATTTCATAGCTGTTCTGGGCATTACTTTCTTTCCACAATAAACATAACATTAG
ATGCTGTTAAATTTGTAGTAAGTAATCGTAGTAATAATAGTAATAGTAGTAGTAAACT
AAAACATTTTTACGGGTAACAACACAAGACTCTCGTTTCACTCTGCATTCAAGCGCTCTA
TTATTAACAAGCTCTAATTTATTTCCATCGTTCAATATCTATTTTAAAGAATAGAAGG
ATTAGAAAACTTTTCTGTTTATTTTCAAAATTTGTGTCTTATTGAACTAACAGCGA
ACATACCGAAAGCAAACCTTTTATCTGCCCTTATAACCACTTTCAAACCACATAAAAAAT
TGCAGTTTGTATGTTGGTCAATCAATTGAATTTGATTGAACCCATGATTACCACTTT
TGGCATACCCCAATATCGATATATTTCCCATCAAAGGCAAAATCGATAAGTTATCGTTA
ACTAAACATCCACAGATTGTAGTTCGTCTAATAAAGGTGTAGACACCAAGTCAATTAATT
TTAATAACAAGAGGAAGTTCGTGGGACGGTTAAACCTATTCACAGCATTTCCAAGGTTTT
>EP77905 (+) Dm INOS; range -499 to 100.

AAAAAAAACAAATATGCCTAGACTTTAGCTTTTATAATGGATTTGCAAAATATTCTCTTCT
TAAGAATTGAGTTTTGAGTTTTATTTCTCATTTCCGTTCAACACTTTATTTGAACTAA
AAGTACTCTTCATAATTTTACGAAATCGATCAGATTTTTTTATAAAGCGTTACAAACCA
TTTGAGAATAAGAGCAAGTGGGAAATTCACGATTGAACCATTTCTCGAATTCAAACCTC
AATTGGGCACTCAATGAATTATGGAATAGGTGTACTACGATCTCCGGCTGGAAAGAGGC
GGACAGAAGGACTCCGCGATGCTCGCTAAGAAATCCCACGCTTGCCGGAAATTTCCGAT
ATCATCTGGTTCCTATAAGTGCGCCGACAGCGTTGTGGAGAGTATATGCACATATCGTA
CATGAGTCGCGGAATAAGAGAGTGCGCCTCTGCCCAGGAGACCATAAAAGCGGCCCGA
TTTCCACTCAGCCGAGTCATTGCGCGCAACTTTTGCCTCGACCACATCGCAGTCTCTTT
TGCAAGAGCCAGGAATTCAGAAGCAAGCACATTGAAACGCGCTAATTGACAAGACGAGA
>EP77906 (+) Dm MCM7; range -499 to 100.

TTTGTAATTTTCATTTAAACCTGAATAAACGTCAATATTTGAAATTCAAATTTAGCGCG
TCTTAATTATGCAAGCAGGTGGCAACACCATTTGAACTCAGCATTCTTGACTAGAATCGAA
TACACATGTGTAGAATTGCGGGTGGCAACTTCCATCATATGAAGAAGTCAGAGTGGCAGC
TCCGGACATGTAAGCAAATACTCTACATGTTTCCCGACATTTAAAGTACGTGTATTTTAA
AGATATAATGATATGGTAATAAATATTTAAAGTGTAAGTTTATGGTTCACGAACATTTA
AATGTATTAATTTGAAGTTATCTATAATTACAATTATCTATAACAACAATTTTCATTAT
ACATTCTACATATGTAATTATGTAATAAATAAACGATAGTTTTATATTTTAAATTTATCT
CACATCTCAATCTATAGTACCATCTCTAATCAAACGCGTTTTTGGCGGGAAGCGTTTACA
TTCTCATTGTTTTCCCGCATTTCCAGCAACAGCGTCCGAAAAAACACCTTTGGCAAG
CAGCTGTACGCAATTTGTTGTTTCATTGTTGAAAGTACAAAAAACCAAGCC
>EP77907 (+) Dm MFL; range -499 to 100.

TTTAAGAGTTTAGAAAAATAAACACCGGTTGGGAAACACAGCTGGTAGATCACTGGCGA
TAGTATCGATTGGGCTGGAACTATCAATATTTTCGATATTTTTTACTCAGCAGTTTCTGA
TTTTCAAATCCCGCAATGCAATCAGCTTGACGCGTCAGTTAAAAAGTAGGGTAGTA

TGACTTTTCATCGCAAAAACAAGTGGATTCTAAGGACATAACATTTTACCGTACTATAA
ACAGTGTATCAGTTTTACATAACATATCTTTCAATTAATAATGCTTTAATGGATTAAA
AATGTTTACGTCAAAGTAAATACCTTTAAATTCATTTTGTATTGAATAATACATATTTT
TAATTCAAAATTGTAATAAGGAATTCGGCTCACGATGACATATCGCAAGATTTCCATTTA
TGTATCGATGTCTTCATGAAATACATTTCTGTGTAGTCACACTTATCGATAGACCGCGCA
CTCCACGTGTTTTTCGTCCATTTTCTCGCAGCGCGCAACACGTGCGGAGGTTTCTCTCCG
TCTATTAGTTGATTTAGCAGAAAACGTAGATAAAATGGCCGACGTGGGTAAGTCTGGCAA
>EP77908 (+) Dm LIS-1; range -499 to 100.

TTGTGTTGTGTTCTGGCGCTGTGTGAGCGGTGATAAGGAAAGTTTACTCCCATCGCGAAT
GTGTGTGTAAGATAACAACAAAGTCGGTTTACAATTAGCAAAGTGCAGTGTGACTATCG
AATTGGGATGTGTTATAAATAAATAGCAATACTTATATGGCATAAATAATTGGAAACCCA
TTTTGTTCACTCACGGATAGGCGTTGTGGTTCCGCAAAAAAAGCTGACGAAGGTCCAT
TTCCTTATCAGCATTTTAAATAGCGCGCAATTTTTTAAGCTGTTCACTGCGCTTGCA
TGGAAGTAGGGCTTAAGTTATGGCAACTCGTTCCTTACTCAATGGTTTCAGTCCTTAGGT
CTTATATAAGATATAAAAAAGTATTTAGAAGTTATTATACATATTTTATTAACATTTTTC
TACATTCCTAGTCACATCGATAGCTAATCGCTGTCATCGATAGTCCCGTGATGTTTTTGT
AGCTGCTTCCACTGCGGTCACTAATCGAAGCATTTTCTGCTCGCTCGTCACTTTTCTGC
GTAATTCCTTTTCGTATATTTTCGATTAAACATAAATAAATAAGCGTAATTATAAATATATG
>EP77909 (+) Dm AP-47; range -499 to 100.

GTTATTGTTGTTGTTGCTGCTGGCTGGCACTGCTGTTGTTGTTGCTGCTGGCGTTGTT
ATTGGCGCTGCTGCCGACTTTCGGACCTCGTCGCGCTGCCATCCCTTTGGCAGGACACT
GCAGTCGACGCGTTTGCCTCGATTGTGACGCTCGGGTTCATTTGCATGCTCGCCGAAAT
AAATAATTAACAATTCACAAAAGCAGCGTCTGGGCTAGCAGTGTGGCCGTAAGTGCAGGAT
GGCCACAAATGCCGGATGGCACAATAGTGATGCTAGATTACATTCTCCAATATATTTATG
ATTTGAATTTAAAGGTACCAATGGGAAAATGAAAATAATTTAAAGGTATTTATTTAAAA
ACAGAAACCTTAAGATGTTACACCTTGACATTTTTCATTTCTTTAAGCTTAATTCGCT
AGTTAATCAGCAGTAGACCAATCTCACCTGGCCACACTGCCCAACACCTGATGTGAACAT
TTCACAGCACTGGTGGGCCAACTAATAAGAAAAAGAAGCAGCAGAAAAGGCGACGTAAGA
AATTCCGGAGTTTTTCATTCGATTTTCCAGTCTACGAAACGGAATATGTAAATCCAGCCC
>EP77910 (+) Dm CRY; range -499 to 100.

CAGTCGCCCCCTCGCACACACACACACACATACAGATCGACAGCTTTGTATTGACG
CACTTGAACGGGCTGTTTCTAGTTACCGATTACAGTACACGCTTCTACACTGGGAGAAA
ATATGCATGTCCGAAAATCCTTATCAACTCTCGAATCTTTTCTCGCAGCCATTATAACG
AGTTTTAATACTAAATATGCATAGAAATTCAAAATATAAACAATAACAAAAACAAAAACG
ATATTTGGATGTTATAGAACACTCTTAGTTTTAGCCTGCGTTTTGTTTTGCCCAACTTAA
ACTTTGGTTATAATATATATAATATATGGAAGTAAGTACTTTTTTTTTCAGTGTGCGGTTCC
CACAGGTCTCTTTCTCGCCATCTCTGTTGCACTCACCGTACTTATGCGATTCATTTTAGC
TTATAACGCCGAACACGGGGAACGTTGAGCTGCAGTTGTAGAAACGTTCTCAGCACTCAA
ATTTGCGATTACATTCTCATTTCGTCAATTAGTTGCCGGCGCGAGCGAATCGTGAGTGCG
GAAAAAAGAAAAATCTTTTCATCAGCTGGAAAACTGTTCTTCCCGATCAAAACTGGGATTC
>EP77911 (+) Dm NLP; range -499 to 100.

GGACGAACGGCGAGAAGGGTTGGATTTCCGACTGCTTTTTGCCGGCTGGAGGGGAGCTGC
TCGCAGCGTGGCTATGGGATGGCTATTGGAGCGCTCTTCCAGCCAAATGGCAATGGTAC
TCACCATAAAACGACTCGGACTCCATTTGCAGGCCTTGGAACACAGATGTACAGTCAATT
AATAAAAGAACCTTTTGTACTCTACACGTGCCCGTAAACCGGCGATGGCTGCAGTTGTGT
GAAGCGTTGAGCGGTGCTGTTATCGAAGCGCAGGACTATCGATATTATTCGTTTAATTTG
TTGGGAACCTCGCAAGTACTGGTAATGAAGACTTGAAATATTTTTTAATATATTTTACTG
TCGCGTTAGCTTGAACAAACGAATATAGATTGTACATTTCGATTGGACACTACAAGTGG
CAGCCCTGCGATTTTGTATCCAGTCTGACAATCATCGATTTCCGACCTTACGTGCGCC
TGCAACCCCTGCGACAGCTACCATTTTGCAAAAGATTTTGCTCAACACGTGTTTCGCCGCT
GGTTTTGTGTGGAATTAATATTAAATATTACCTACCATGGCTGAGGAATCATTCTACGGT
>EP77912 (+) Dm DAK1; range -499 to 100.

TCATCTAATTAAGATAACCGCTTAACCTCTGTTTTGCTTTCCAGTGCCCGCTGTGATCGT
GGGCGTCGATGATGAGGAGGTGGACATGGCGGCGGCTCCAGCATATTATTCCTACCA
ACTAGTGGCCGACTTGATACAAAACAACCAAGCGCAGCTAATTTAAAAGACTTATTTAGC
AGGTAATATACATGATAATAAAAAAATTAATAATCAAACTCTGCAAAGCTGCATGTTTA
AGGGTACATTTAAAATGTTGTAGAAGAATATTTAAATTAATTTAATTTAATATC
GAACCGGAAGTAACTGCATAAAATGCCATTCAAATTTGGTTCGCTTCCCGCTAAAGCCGG
CGCCAGTGTTGCCGAACGGACGCCCCGCAACAGCTGCGCTTGTGCGTGACGTACAGGGT
GTTACGTTTCCAGTGGAACAGTGGTGAGGTGTACTGCAGGCGGCATACACATAAACCA
CGCATTCAATTTGCCTTCAGTTTGGTTTCAGTCGTCAATGTGGCGGGCTTTGGCACGAACG
ACGTTGAGAGCAGTAGCCAACGATTGCGGTTACCAGGAGTCGGTCTCGCACCATCAGCG
>EP77913 (+) Dm PINS; range -499 to 100.

AAAAATAAGAAAAGACTATGATAAAATTTGTTTTAGCTTGGCTCATAAGTATTGATCCT
TTATAAGCTATGGTCTTGCACTGGCTAACATTTCTCAAATTAGGGCAACCATCTGATAAG

TCCAAATTTGCCACCACTACCACAATTGCCGAATCCTTTCCCAAACCTTCTTTTGGGGTCG

TTAAACACTAAAACCATTAATAATTTGTATGAACTTACATATTATAAATGTGCCATTAAATA
TATATTTATATAATATACAATTATAAATAATTTATAAATTTAATTATTATATTTTTCAAC
TTATCTTTAAGAAGAGCAAAATGGATCTTCGTCTTCAAAAAACAAGACCAAAAATTGGGCT
TAAAAAGAAAATCGCTTTAATGTAAAAAGCCCTGAACACATATATCTAATTCATTTTCGTC
AAACTCTTAAACTATTAAAAAATAACATGTTTAAATTTCTGAAATTTTACACAGTAT
TTTGTAAGTAACTTGACATAATTTGAAATTCATCATTTAAATTTTGTATATATATCGAT
TTCCCATACGATATTATGCTTATCGATGGTATCGGCACTATCGTAAGTGATTGCCCCAGC
TCTAAGCGGATGGCTCGGCCATTTCTGTTTTGTCTTCACCCAATAAAGTTGATAGACCT
ACAAGTAAGCATTTTCGGTTGGATTATGTGGGAAATAAATGGTGTTTAAATTTAATCAGCA
>EP77920 (+) Dm RPP2; range -499 to 100.

GCTATAAATGGACCCAGGGCCTTCAAGGAGCTTATTTTTCCGCTGTCCTTAAATCTACA
TCATCGGGCTCTTCGTCGTTCTCATCAATATTTTCTATACATTTTTTTCTTTTTTACA
ACTACGCTCTTCTTGGTCCGACATTTTCGCGCGCTTTTTTTTGTTCGTTTAAACGACG
CTATGGGCACACTAATTGTATACATAAAGTTGCAGTGTGACTCATTTCGTCATTATACCAA
AATATCTTTTTTTAATATTCTCAATAACCGTACGGAAGGTCTTTTATTAAATAGAGA
GATAAACATATAACCAGAGAATTATGCTAAGGCTTCTGTCCAAGATGCTTAAAAATAAAC
TAGTTTTAAATAAGAGATAATCTCGGCAGTTTGAACGAGTTTTCTCTACCTAGTATTTCC
TGACAATAATATGCAAAATTTCTAGACGGTTGGTATTTTTCTTCGTCATCGGCGCGGTC
ACACTGCATATCAACTGCTCTTCCGGTTTAGGATTTTGACCAGCGTGCTTGTCTCGTC
CCGAGCTAAGGCCATTTGTTATAACAATTAATTTTTGGCAACTTGCACAATCAGTGATT
>EP77921 (+) Dm M(2)32A; range -499 to 100.

TAGAGGTAAATAGCAAGTAATTGCTGGTAGACTTCAGCTCCAGTTTCGACTTGCTGTAAA
AGTATGGTTTTCTAGAATTCATCTGTAGTGAATATATTAACGATCACTCACCTCAAAT
TCCTCGTTCTCAAGCCGCTCCACTACTTCACTATATTTATTTAAATGCATTTTATTGGTA
AATTCTTGGTCGGGAAACAATAATGTGACCGTTTAGCGTGCTGCAAGAAATGAAACCTTC
CCAAAGCACTCTGTGCTTGTGTAGAGTCTAGCTGACAATAGTATACATATATCGATAGC
TAAATGAATTATTTTTACACAATTAGCTTTCTATTTCCCTTTAATAAATCCTGTAATAG
TCACTTAAAGTAAAGTTTTGAATATCACAACATATTGTAAGCGCATTAACAAAAATATCG
CTAAGCATCCCGTTATCGATAGCTGCTTGGACAGGTCTCCACATCGTAGAGCTGTCAACG
TGCCAAAAGTCTCCACCTTCTTTTCGGTGTCAAAACTAGACTATCAAGATGGGTGCTAT
GCACGCTCCTGGGTAAAAATGAAATTTTTCATTGTTTTCGATGCCTGTGTGCCAAGCTGA
>EP77922 (+) Dm GS1; range -499 to 100.

GAGGTTTTTACGAAGAGATTACGAGAAATGAGAGAGTGTTGTAATAAGTAGTACTGCTGA
AATGCATCTGCATACTGCGTAACCTATCATAGTTTCTGAAATGAATTTATCAAAAATGTA
GAACTTAATTTGTGGGTTCTAAAGTGGGCCATGCACATAAATGGTGCAGGTGTTCTACGA
TGAGAATTACTAAAAACTTTTGTTTTTCTTTGGCGCTAATGCAAGCTACAAGTGCTCGA
AATGCATAAATGAGCTTATAGCGTGTGCTCAGTAACGGGGCTTTTGGCTACCCGACTAGC
CTCGAAACATAAACATTATGGGTGCGATTGCAGGTCTCTCTGGCTAGTGGCTGCGGAGCG
GGTGCTCATATACGCCAGTTTTGAATGCTCTCTGGGAGGCCTTTGTCTGTGCGTCGGCG
TCGCAACGAGATAAAGAAAAACCCGAGGCGCGGACGAAACAACGAAAAAGTGAATGC
TGTCGCGCTAACTGTGCTCACAAGACTTCCAAACATCGAATTGGTCGGGTGTCCCAACA
GTCGCTCCGCAGCCCCTGACAGAAACAGAAACGAAACCGAAAGTACCGCAATCCAAAAAT
>EP77923 (+) Dm EFF; range -499 to 100.

CTCGGATTACCAACATCTCAAAATTGCTCAGTAAAAACATTCCGGCAGCCTGCAACACGT
TGGGTGTTAACAATTTACATACAAGTTGCAAGCTTTTGGGCGCACGCACCATCGATAAG
AAGGTAGTTCGAATAAAATATAACACCTCTCGCTGCCGGTAAACTATTTCTTCTGGCT
GTTCCCGAACTAAAGTGAGTATGAAGAGTCTTGCAATTGGCAATCAAATTGTAATTAAGT
ATTCATCCCTCACCTAAAGGCGTTGCCACCAATCGATCTGGCCACCCCTAGCGAAAAAG
GTCATATAGCTGGACTGCTCTGCTGGACTTCCGCTTCAACAACACTACCACACGACACAGA
CACACCATTCCTCTCGCTCGGGCTTACACTTCGGTGTAACGATTGTGCTTCGTTGCGTTT
TCAGCTCACTAACGGTCGTCTCTATCGCACAAACGGTCGAAAGGCCCGCATTGATTGTG
AAAAAATAATCGTCGCCGTAGTCTTCGTCGGGTGCGCGTTTTTACTTGCAGTGCGCTGGT
GCTGCTTTATTTCTGTGACAAGGGACACTCAACCGAAAGAGCCATATTTAAGCATCAAAGT
>EP77924 (+) Dm YPS; range -499 to 100.

TAACAAAAAGGTGGTTCTCACTCTGGACATCCTGCAGGGCGCCTTCTATCTCTGGTCCGT
GGGGATTGGCATAAGCTGCTTGGGATTTGCAGTGGAGCACGCTCATTGGTTTTGGCGGAG
ACAGACACTTCGGAATGCGGTTGAAGCTAGAACAAGCTAACTAAAAATATTAATAATTAC
TAAATAAAAGGTACATATATGTTTGTATTGTAAATACTATACTAAGTTTTCAATAAAT
TCACCGCTGTTTAGTTGGACATGTTGTTTTATACATTTTAAATGATAAACTGTAGTTTTA
TATTATTCTAACCATTTAATGAATTTAACCATTTATTCCAATTAACCTTTCTTGTAATTT
TAAATGTAACGGCTTTTTATGTTGTTATGGCTTAACATTCGCGCGTAACAGCACACTGG
AGACCCCCAGTATCAGAGCATCGATAGCACCCATCGATAGTCCGATCACCAGCAACCTG
CCTCCGGCTGTCATGTTTCACTTCCGGAGCTTGCGAACAAAATAGAATCGCTAAGGCAAA
GAAAACCTGCGAGTGGCGAGTGTTTTAAGATCACACTCAAAAACAACATCCAAAGTGGT
>EP77925 (+) Dm MTS; range -499 to 100.

GACAAACTATCGATAGTTTGAATTTCTGTTACAAATAATACGTGTAATGTAACGTC
AAATAATAATATCAAAAACCTTTAAATATATATAAAAAAATAAATACTTTTACACCAAG
TATTAATATTATTATATCTAAAGAACCCCGAGAAATATTGAAGTTTAGTTTTAAACAAAT
TGTGCTATTATTAAAGAAATAATCGACGCTAATGCACATCTATGAAAAGACTACTAAAGG
ATTTTAAACAAATCCCAATATCTTGTGGCCAAATGCCTATGTACATACTTTATTTTGT
CACTATCACGTAATAATGTAAAAAACGGTGAGCGTTGATCCCACTTTATTTTCTAGTT
TTACTTGGTAACTGTTGGCCAAATAGTAAGGATACCATCCACAAGTTTAGTCGGTATTT
TTGTAGAAATGTCAAGCATGCATCGCTAATCGATACACACACACAGCGCTTCTTAAG
CGTTTCGCGGCAATCGGTACACCGAGGGCAGTCTTCCCTTCGTATATCGTGTCTGTCGT
CTCTTTTGTGAACAAAAAATACGAAGAAAAATCGCCAAATCGAGTTGATTTCGATTGGCAA
>EP77926 (+) Dm MCM6_1; range -499 to 100.

TTAGCCAAAATAGAATCAATAAAATTATTTACGAAATTCGCGTGGTATCGATTATTTTCG
GAATAAGCCTATCGGTGCACAGCGTTCGCGCATGAGTGGGCGAACTATCGGTCTTAAA
AACGTACTAAATTCTATAAGTTCATAAAATAAACAACCTTAAGTTGAATGTTTTAATACTT
TACTCGTATAAAATTATCTTATAATTCATGTCATTCATCTCTTGGATTATTAAGTTATC
CGATTAAGTTATTAACCAACGTATCTCAATCAACTTTTGGACTATTTGATCTATTCAAA
AAATTCGAAACTACTTGTGATTAGCAAGGGCAAGAAATTTAAGTAAGCTTTTCAGCAAT
TAAAAAATATATATTTTTATATATATTTGAACATAATAAATTAATGTGACCGTAAGACAT
GTTTACCTTTGCTCTTGAATAGCTGGCATCCCTGCGCACGAGCGTTGCCACCCCAAGCA
ACTGTGAGAAAAAGGCGCCAAACCGAGCAAGCACGCAGCTGTAAACATTTCGAAGAAA
CGAAAGCAATCTCGGAATTTAGCGCGCAATTCACCAGTTTGAAGCAAGAAGTGACCCAAA
>EP77927 (+) Dm MCM6_2; range -499 to 100.

GCACAGCGTTCGCGCATGAGTGGGCGAACTATCGGTCTTAAAAACGTACTAAATTCTA
TAAGTTTCATAAAATAAACAACCTTAAGTTGAATGTTTTAATACTTTACTCGTATAAAATTA
TTCTTATAATTCATGTCATTCATCTCTTGGATTATTAAGTTATCCGATTAAGTTATTA
ACAACGTATCTCAATCAACTTTTGGACTATTTGATCTATTCAAAAAATTCGAAAACCTACT
TGTTGATTAGCAAGGGCAAGAAATTTAAGTAAGCTTTTCAGCAATTAAAAAATATATATT
TTTATATATATTTGAACATAATAAATTAATGTGACCGTAAGACATGTTTACCTTTGCTCTT
GAATAGCTGGCATCCCTGCGCACGAGCGTTGCCACCCCAAGCAACTGTGAGAAAAAGGC
GCCAAACCGAGCAAGCACGCAGCTGTAAACATTTCGAAGAAACGAAAGCAATCTCGGA
ATTTAGCGCGCAATTCACCAGTTTGAAGCAAGAAGTGACCCAAATGGATGTGGCAGATG
CTCAGGTTGGCCAGCTGCGCGTAAAAGACGAGGTGGGCATTGGGCCCGAAGTTGTTTC
>EP77928 (+) Dm PDK_1; range -499 to 100.

ACTACATTATTATGTATCATCTGTTAGGTCAAGAGCAGGAAATGAAAAGCCGTGTCAA
ATTGGTATTGCTATGTAATATGTTGTATATTTTTATCAAAATATAAGAAAACCAACACTT
GTAGTGGTTAAAGTGAGTTATTAATAAACTTAGTCTGTTAGAAATGTACGCGTGT
TCTTTGAAGTGGGTCTAGTCATAAAGAATTTATGTTTACAGAATTTATAATATTTATAT
TATACAATTTATGTAATATTTATAATATCTATTCATTTTTTTATTATTTTATTATTGT
TATGGGCGGTTAATTTTTTAGTAAAGCTTGTATAATGAATTGTTAATATTAATCGGTT
TTTAATGCGTACTATTTGATTCATTTGTATATATTTTCAATTGGTTTTAAATTATTTCT
CTGCAATATTCGTTATAACCAAGGCTGCCATATTTTATACAGAAGTCAGCTGGCCCGGT
GCTACCGGATCCGTGACGCAATTCGGTTGGTTTCCAACACTGCGGCTCTCCACGCAAAA
GCGCTCGCAGCTTTAGGTAAATCGGCGTTCTTTCGAACATTGGAGAATCCAGAGCCAC
>EP77929 (+) Dm PDK_2; range -499 to 100.

CCAACACTTGTAGTGGTTAAAGTGAGTTATTAATAAACTTAGTCTGTTAGAAATGT
ACGGCTGTTTCTTTGAAGTGGGTCTAGTCATAAAGAATTTATGTTTACAGAATTTATAA
TATTTATATTATACAATTTATGTAATATTTATAATATCTATTCATTTTTTTATTATTTTA
TTTTATTGTTATGGGCGGTTAATTTTTTAGTAAAGCTTGTATAATGAATTGTTAATAT
TAATCGGTTTTTAATGCGTACTATTTGATTCATTTGTATATATTTTCAATTGGTTTTAA
ATTATTTCTCTGCAAAATATTCGTTATAACCAAGGCTGCCATATTTTATACAGAAGTCAGC
TGGCCCGGTGCTACCGATCCGTGACGCAATTCGGTTGGTTTCCAACACTGCGGCTCTCC
CACGCAAAAGCGCTCGCAGCTTTAGGTAAATCGGCGTTCTTTCGAACATTGGAGAATC
CAGAGCCACCTGGAGTCGATTTCTTAATCCGAATTCACACCGTTCGCGTCAAAGTCGCG
CAAAAACAAATAACTGCGAGTATAGTTAATCGCACGAAGAACTGCAGTGAAATCGCGAG
>EP77930 (+) Dm AATS-ALA; range -499 to 100.

TTGCGCGATTTCTGTTTCGCAACCCGCTGCTACACGTACCGTATTCCTTCGATTACGGAA
AATCCCAGAGAAGTGTTTCTGTTGTGGCGGAAATTTACACGCCCCATTGTCCAGCCTTA
GGAACCTTAATCGGCTGACGCCCCGCTAACCATGTTCTTACTGGCCAGGAGGACAAG
CAGAACTTTAACTTATGTTACGCATGAGGGAGATCGAGCACCAGGTGGAGGAGGAACAC
TTGCCACAGCGAATGGACTTTTAATTGTTACACATTGTTAACTAGCTCAAATAGAGGCGC
ATTTAAGAGCTTATCTAAATGCATTTTTTAAATTTGTGATTTTTTACATATATCTGGA
GGGTTCTAGAGTGCAATTAATGTAAATTAAGCAAGTGGACTTAATTTTAAATATAAAAAA
ATTATTTTCTTATTATGCCATCTCTAAATCTATCGATATCTCATCCAGTTTGCCGATT
GTCTATCGAGCAATCTCACACGTTGCTGCAGTCGGCTGACGAAATGTTTGCATTTGCA
TTTACTGTTTGAAACGTGAGTAATACATAACTTGTGTTTGGTTAGGTACCAGTGTGGTCTA

>EP77931 (+) Dm RHOGTPASE; range -499 to 100.

TTCCAAGCCGGTCGGTTACACGTTCAATCAATTTTAATCGCTTTTTGGACCGAAAAATAA
ATTCTAACTAGTTTCGCAACAACTAAAATAGCAAACAATCATCTGTTTCGAGAGCTGCCA
ACTCACCGCGCACGCAGAACTAGTTTAATATGTTGCCAGATCGTTATTTTGTGAGTGGT
TCCAGATTTGAAATTTCCCAATTGGAGAAATTTTACAAAGTGGTAGGCCATATTTCAAAT
ACGAAAGACTTAATAAGTTTAAAGTGATGATTTTTAATAGTTCTAATGTAACCTTTGGACT
AAAGTAAGCTGCATATTCACCTTACCTAGGATAGATGGCGATTTCAAATGTATTTCAA
TGCTTGAAATTTTTCCAACGACCATAACAATAAATATTGGGCAACCCTGATAACAGTCATT
ATAAAAATAAATATTCCGTGAATTCCCCTTCTCCGTCAATCTGGCAGTGCTCCGCGCCCA
ACCGCCGCGCTTTTCCAACACTGGCCGGTTGCCGTCAAAGCGCGTAGAAGAATTGCGGGC
TGTAACCTGCAATTTATTATTTTTTAATTTCAATTTATAGTGACCTGGTCAGCGAGCACTG

>EP77932 (+) Dm SAE2; range -499 to 100.

CTTCCTGCGTCGCACTTCGGCCATTATTCGATGTTCCGCCAGATCTATTCACAATGTATTG
ATTCTATTGATTCCGCTTGAGCAGTTCTCGTCCGTGTTCCGCTCTCCGCTTTGCCGTT
TGCCGTGACCCGTGCTGCGTGATCCGTATGTCGACTTCGTCGAATTAATGCTTTTCT
CTATTTCTGATTAGCCAGCATGCAGTGTGCCAGCTTGCGCAAAGTGGGCTGGTGGAGC
AAAAGTGTGGCAAGTATGCTCAATTGCTGTTAGGTTTTACAAGTTGACTTTTCGGACAG
AAAATGTTTGATGTCCTTTTAAAAGAACTTTCTTTTCTGTGCAATTAACGGTGACTTTTG
TCGTAATATGTAATAATAATATATTAATAATACTAGAAAAGTTAATTTAAGTGATAATA
AGAGTCACCCATATCAGCCATCCCTGGTAGAGAATATCCGTAGCTTTATACGTTTCCCAA
CACCTGCACCGCGCGCTCACTTTTCTCGGCTTTTCCGTATCGCAATTTTGCAATTTTCT
CGCCAAAAATAAGAAAAAGGAAAACGTAAATTCAGAAAATGGCAGCAGCTATCAATGGTG

>EP77933 (+) Dm CS1; range -499 to 100.

CAATGATGATGATGATGATGATTGTGTTGGTGATGATCTCGGCCGAACTATGCACACG
CATGTCCAAACACAGACGCACATCACAGTCGCTTGTGCTTGTGTTGCTCTGGCCAAA
ACAAGGGCCGTCCCCCTGCCACCGCCCCCTGTGCGCCATCGCCCCCACTCCCACATTCAA
ACGCCCTGTGGAAAGCGACGTCAACAGGGATTGGGCCGATGCTGGGCGGCTTACCTGGA
TGAAGTGTATCGTTATCGTGACTTGCCACGCGCGCGCGCGGACGACCACAGTTTGT
ACGTTTGCATCTGCATTTCCCGTTTAAATCGACCAAGTTGGCCAGCAAAATATTTTATT
TTCCTTCTCGACAGCAGCAGCGTGACCGTTCTCGGTTAACTGAGAAATCCACACTCGCA
CTGAGACGGGTGCGCGTCTCTGCTAGACAGTAATATCGATATCAACTATCGCTAGCCAGC
AATCGACTTTGCGCCATCACTAAGGCTAAGTCATCAACGAAAAAATACAGAAAAATTG
GCCAAGGAATAGATAAAATTTCTTAAGTCAAGTTAGCCACGCGAAAAAGCGAACGGAAT

>EP77934 (+) Dm INCENP; range -499 to 100.

CAGCACTGGACGTTTGCTGAAAACCTTGTTGAAATATTTCCGGTCCTTTACGCAAATTAAT
TCTCTTCCGTAATCTATATTTATAATTTAAATGTTCTTTTGTCTTTCCCTTACCATT
TTCCCTCAAATTTGTTTACAATATGTTTTTGGGGAGCCGTGCAGCACTGCTTTCTAGAG
ATGGTAGTGGCGGGAACGATTGGAAGTGGTTACCTAATGTTATACTTTCAAATTTAC
AGGGCTAGAAATCCAGTACGTAACCTATTTAAATAACCAATAATATTTTAAAGAATT
CAAATAAATATCTCCCAATATTCCTCAAAAAACAAGTTTTGGTTGTGTTTTTCATTTTG
CGCGGGAACTTTATCGCCCGTGCAAGTGTGAAAGCAGAGGCATAAATCGCCTTACAGC
ACCCGACGAGCTGTTAACTGTCAACAGTGACAATTAAGGCATGTTATCAAATGCTGAC
GCGCGTCGCAATTGCCGCCATTTGAAAAAACGATAAAATCGAAGGAACCGAATCCGGAT
TTGCAGTTTGTGAGATACAGTCGCTAGATATGGAGGACATCTTGGGCGTGCTGGGCTCGC

>EP77935 (+) Dm TRAP1; range -499 to 100.

CAGCAGAGTTGCATTACGAGCAGGGCTGTGAGCAATTGGACCGTATATCGATATGAGGT
ATCGATGTCTTTCAATATTGGATTTGATTTAACTTTCTTTTATTTACTGTCTTTTGAA
GACATTTGTTATTTCACTCAAAAAATCAGCATCCAATCTACATTGGCTAAACAATGAA
ACGTAATCTGTTCTTAATTTCTTACGAAATTTACGTTTGTGTTTACAGTTGAAACATCT
CTATCTCTCTCTCTCTCTCTGCTGATCGAAATCTTTAGAGAACTAGTCAGCTGGCAGTT
TGCTTCAGTTTTGAGCTGAATAATGTGATGAAACTGAACTCTCCATTACATGTAGTAAC
CTTATTCAAACCAACTAAGCATTTGAGTCCAAAATTCATTACAGCCCAGAAATTTGGAAG
AAAACACCGTTATGAGTAGGGTTTTACCAGTTTACTATTATCGAATACTTACAATCGATT
GATTTGGCTACACTGTGCACACATGTGCGCTGGAACAACTTCGTAGTTGGGTAACATTA
AAGTTGGGCAAAACATTAACAACAAGATGTCTGTACGAGCGATGGGAGTGCTGGGCCA

>EP77936 (+) Dm BEST GH06241; range -499 to 100.

TTGAATTATTACTTAACTAAATGACAGTAGAGTGATATTAACCAAATGAACATCAAATT
TTACTTGGCAACAAAGATCTCACACATGTTCAAGTCTACCCCAAGTGTAGTTGAAAAATAAG
GGGTATTTTTAGCTAACCTGGTAGCCAGCTGCGTCGCAAAATATACAAAAACAATTTCG
CGGGTCTCATTTTATACATATAGTACATACATACATACATACCCCTCCGGTCTTTACC
CGTAAAAGCTTCAAACAAAAACCGGATGTAAGCTTTGTTGAGTAAATAACAAACAAG
CCGATTCAATTCGAGTCATCCCGATGTGGAAGGCGCTACTCCGTCTCAGTGGAGTCGAG
TCCAAAGTAAACCCGCGATAAGCCCCAACTGATCGGCGTAGGGTGGTCAAGTCGCG
TTATCATCATGAGCGTCGAAAACGAGAGCTGCGCCACGATGATATGGTAGAATCAGTGG
AATCGTAGCTGCTATCCGAGACAGTCTGAGTGGAACCGCTGATAGGAACAGATGGGTGTC

ACTGTTAAAATTCTGGTCTTGATACTGGCCATTGCCGGTGGGCTGGTCTATAGGAATGTG
>EP77937 (+) Dm CRP; range -499 to 100.

AAAAGGATTTCGAAACCAATCTTAACGAACAGCGAATTCAAGCGGCGAAAAGCGAACTCAC
AGAAACACAGCGAATATTAACGGCGAAAAGCGAATTCATAACTGGGCGAATTTTCGCT
GCGGAAAGAAAATTCATAATACGGTTGGCTAATAGCGGCGAAAACATAATTCACAATAT
TCACAAAGAAAATGTAGAAATTCGCTTATTTTCGATGTTTAAATATTGTAATACTTAAAT
ATTTGGAGTTTCAGTTTTAGTTTAAAATTAATAAGTTATGAAATTTTTTGGGACAACGCG
GTCTTCAATTTTTGCAAAATTTACCCATTAGATGGCGTATTGGTGGATATAAACATTAAG
CAGATAGGTGGCGCCTTAGCAACGAAAATTCAGTGTGTGAAGCGCAAAAATACGAAAT
ATCGCAGTGGCATCAATGTAATCGATAGTGCCATCAATGATTTCCCTATGTGCGATTTT
TTCCTTGGCAGCCGTGGTCACTCTGCTGTTTATCGCCGAATTGAACGCACGTAGCGGACC
GGACGGATATCGCATCTTCCGATCGGAAAAATCGTACAGTGCAGCCAATTCGCCGTCTAC
>EP77938 (+) Dm RAB2; range -499 to 100.

TCGGGGCCAGCGACAGAAGTCTGAAAGGCGAAACGGAACGGGTCAGACGGGCGGGGCC
GGGATCGTTGTTTCGGACGCCATGTCATCGCTCACCTTGGATTTTGTGCCTGGCCGGTTCC
TACGCAATATGGTCGAGCCGTAGCCATCTTCATGTTTCACCCGCTCGAAGACGCGATGA
TCCACAACGTCTGTGCCTACGCCCTTGATGAGAAAATCACTGGCAGAACTGAATGCTAGC
CTGGTCCCTGCCCGCGGGAGTCTCCGGATGTGGGATCCCTGCACCGTAGTATGCTGAGT
GTATTCTACAGGAGCTGGCACATCGCTTGACAATTAATTGGCGTTTATCCTCCAAAACAC
TTTGCTTTGTGCGAGAAAATTTCTGACAAATCTACATACATACATATACCTATCGATTG
GCCAGCGGCAGTGCATCGTTATCGATAGGGCGATTGCAGCCTTGCGGTATTTTCGGTAT
TTCCGCCAGCCCTGGCCACAAAGTGGCCACACTGTCGCTAGCCAGTCATCATAAATACGA
ACAGATTGGAACGTAACAAGATTGCGTATTATCTGTGGCATTACGAGATCGTACTTTC
>EP77939 (+) Dm EG 132E8; range -499 to 100.

TGAGCTGTGGGGATTTTCGTTAGCGTTTAAAGGATTTGCTACGTTAATTTTCTTGTGTTAAT
AAAGCGTTGACCTAGAGTATAGAGTACCACCCAAATCAAGAGATCTTATATTATATTGCT
TAAACTTTTTTGATTGCTCCACTCTGAATTTGCCACAACCTCTTTTCACAGTGTATTTAAC
TGCTCAGGTGAACCTCGATAACGATCTATCAATAATTGAACGCGCAGGCAATTTATCGCA
CCACGACCGCTTGTGGTATTTCTGTGTTCTGGTATATTTTATAGTTCAACCTGGCGAAA
AATTGTTTTTGGCATAACTGCTATAAAGTACTGAAGAAATTCATAATAATCTTAACAAAT
GGCAATTAGACAAAAAATGGTTTAAACACTTGATGCCTTCCAGAGGCGGACGGCATGAG
TTATCGAACTATCAAAGAACTGCTGGCCCCGATAGTTCCGATACAAATCGCACCCTAT
CGAAGAAGAATTGACTTCCATTGTATATCGTTTGGAAACGCAAGAAGTGCACAAAACCTCG
CTGCTTTCCGGTGCAGTTTGTGAAGAAGTTTGCTAAAAAGTGAGTATTTTGCACCTGCAG
>EP77940 (+) Dm ILK; range -499 to 100.

AACCATTCTATGGTTCTTTTGAACCATCTATCACTTACCACCTGAGCAGCTCCATAGA
CCGCTGACCAGTCCAGCTTGGGAAGGATTCTCCACAAAAGTTGGATTAAATTCGCTCT
CCACCACTTCTTTTTGTTAATCTAAATGCAAAAACAAATAGACCGTGAAACAATCAATA
GCCAGGACTTGGGACACCGGAACCTACCGTCAGTTTCAGGGGAAATCCCCTTTGACGCC
CTTGATGGCCACGGAGGTCAAGAAGTTGTATGTGCTGAGTTTCATTTTCGGGCTTGTAAAT
GGTTTAATTAATACAAAGAGATGAGGTAACAACAATGTTTTTAAATAATAGTTGCGGTG
CACGTTGTATTCCTTCTTCTTCTTGTCTTAAACATTACAAATTGGTGTATGTCATCGATA
CCACGATACACACTTGTGATGTTTTGCAGCAGTTGGCAACGCGAGCAGTGTGTTAAATA
TTTAAACGTCACACTGCACAAATTTAATTGGAATTCACAACTGTCGCATTTTAAAG
CGTTTAAATCTGTTCTAGATGTAAATTAGGTTGGAAAACCTATAATATCAGTGACTGCG
>EP77941 (+) Dm DUG; range -499 to 100.

TTACAAGACTAATATAAAAAATAAATATTAAGACATTTTTTAAAAAAGTGGGCGTGGCAG
TTTTGGGTGGTTTGGGTCAACAACTAGCGCTGTCTCCAGAATCTGTATGCTTAATCTCA
ACCTTCTAGCTTTTAACTTCTTAAGATCTTGAAGTTTATGCGGACGACAGACGAACAG
GGCCAAATCGACTCGGCTATTGATCCTGATCAAGAATATATAAACTTTATATGGTCGGAC
ACGCTTCTTCTACCTGTTACATACTTTTCAACGTATCTAGTACACTCCATTTACTCTAC
GACGGGTATAATCCTACGAGTAAGGTCGTGTTTTGTTATATTTAATTTAATTGTTTACT
GGACACATTTAATTCGAAAACCTTAGCTAGGTTTTTACCACCTAGCGTTTTTATCGATG
CCGATTGCTCGATGGCATCGATATCCGAATGCAGTGCAGATAACCGGCATGTGTCATCTC
GAAAAGCAAATGCAGAGTCATACAATAAAGAGGAATTAATTCGACATCTTGCAATTGTTG
CCTTCAGTTCGACAAATAATAACAAATTAAGTGTAACAGAAAACGAAAGATGACGGTG
>EP77942 (+) Dm TWE; range -499 to 100.

ATAACACAACCTGCAGCACGAAAAATATAAACAAACGGACAGTGTGACCAGATGTAATAAA
TGTTAATATGTTTTTGTCAAATTTTCCACTGGAAAAATGATATGATTCAATTAATTAAT
GTGGAATGTTTTTATTTTATTACGCTCATTAACGATTATTCTATGTATCTTTTCTTATA
ACTATTTAAAGTACAAATTTATTGATTGAAAAATATATTGATTTTCATCGCATATTATGGTG
GTAGAACACGTTATCATTAAAGATGGCTGCGCTTTTAAATTCATTTTCATTGCTCTTTGT
CAAATAAAGTTGAACAGCCATGCAAAATACCAACAAAAAATATAACAAGCAATTTAAAT
CAAACCTAGAGCGTCTGTTTAAATACGGCGCAGTGGTGAAGTTAGCAGGTGGTGGGTTTGC
ATCGGTAGAATGGGGAATTGATAAAGGCGCAATAAAGTTGACCGCCAAAAGCGAAACAA

ACAAGTCGACAGAACAAGAAAATCGTCAAGGATTTGGCAATCGAAATCACTGCGCACGCT
GGAACCCAAAATCTGAACCTCCCAATAGTTACGTATATCGCAAATAGATCAGGGTAAGAA
>EP77943 (+) Dm BICD; range -499 to 100.

GGATCGCCACCTCGATGCTTTCGGTCTGGTCCGGCGACATCACGTCCCCCTGCTTCTTCA
GGTAGTCAATGAAGCTACGCACGAAACTCTGCTGCACTGCGTCCGGCATTGTTGTTATGC
TTTAGATTTCTGTTTCGCTTAATTTTCGATCGACAGACAAGTTGAAAAGTAAATGTGATTAG
GCGAAATGTGAATATAAAATCGAGTATCGATGTGCTACATGGCCCCGATAACTTTTGAGAC
ATATATCGAACATTCTGATAGTATGGGAAATGCTGACGCTGTTTACAACTTTGGTTTCA
GCTTAAATTATATTTATATTATATATTTTATATAAAAAATAAATCTGTTGCTTCAAGCAT
TTTAAATAAAATCATACCTTAGTAGTGGAAACGCGATTATTATTACCAACGCGAGGTTT
GGGTCCGAGCTAAGCGCATTCTTAACGCTTTTCTCCACACCTCTCCGCATTATCGAAAGT
TTTGCCTGCGGTGCGACTGAAATTCGTCACAAACATTGCCAAGAATCGACGTGATTGCG
GACAAAATTTTGTGTTTGCACCTGCTTGAAATTTGACTCCATCGACGACCGCAGCGAT
>EP77944 (+) Dm JHI-26; range -499 to 100.

TGCTGCGATCCATTCTGTAACCTTCGAACGTAGGTGTTGGCCCTGGTCATTGACCCGGTC
GTTTTGAGTAAATACAGTTGAGGCCATTGGTAGTTGGTCGATAGTCGAACGCAACGG
TAGGATAGCTTTTCTAAACTGGAATTTTGAATAAATAATATCGATACCTGTGATTA
TGGAATAATAGAACTTAATCCAAAGGAATCATTAACCTTTGCACACAATAAACAAAAA
AAACTAATTAATAAATAAATAGCGTATCCCCCTATCTTTGCGTCATGATATCTTATC
ATATCATTTTAAACATGCCAAATTCATCATGCTAATCATTAGGTAGGTACTGCTTCTCTA
TAAACCATAAAGTGCTTTTAAATGATTAGAAAGCTTTTCAATTCGCTCTTATCGT
GTAATCTCTAACACGAATGAGCTTTTGGAGAGTAGTACAAATGAGCTATATGAAATGG
TTTATGCTCATTGCTATCCACAAGCGAAGCGTTGGGATCGTCAGTACCGACGAAATGG
AGAAGATCGAGGCTGAGAGGCAATGGCTGAGATACACGTTCTTCCGTCATTTCTGAGGA
>EP77945 (+) Dm REP2; range -499 to 100.

AAGCCGGTTGAAAAGTAGTTTCTTGGGTGCCGAATGGGTAAATGCTGTCTGTTAAAGCGGTC
CATCATATCATCTATGCTGCTACGTATGTCGTCCATTTTAAAGTTGTATGTGGGAGACCTT
AGTTGACGTTTTTCAGTAAAGATATTTACTTTTTATTGCTAAAAGAAGTTGGTAAATATT
AATCTTAGAGTGGCTGCAAATATTTAGACAAGAAATGCCAAATATTGGTCATATTTTATT
AGTATTAAAGTGGCCGATAACTTTGGCTTTTGTATCCAAATTTGTCACCAATAATCAAAT
ATACGTATATTAATCTGGGAAATAATATCTTAAAGGGACAGTTGTCTTAAGCAATTTCT
TTATTTGGTGTGTTAATATAAAATCAAGAAAAACAAATCAAAAGCTAAGTTGGCAGCCAG
TTTAGTATATTCGAGCGTGACTCTTTTCTGCACCACCAAAAGTATGTTACACGAAATAC
TACAGGTAAAAGAAATCGAAATCGAATAACGATAGTTCTTCGAGTGTTGCCGAAATAAAA
ATTGATTTGCATTTCTTCTCGGCTTAAATGAATTAATGTTATTGTTCCGCACCGAAA
>EP77946 (+) Dm RPK; range -499 to 100.

CTTTGGTCAGCGCTTTTCTGGCTACGTAATAGTATTCACAGTCCTTGTACGCACAAG
ACCTTGTGCGCCATTTTAAATAAATTTAAATAATTACGAATCTTAATAATTAAGTAAACAG
TACAAATCGGTACGAAGCATTGTTATCGATACATATCGAGGCGTAACGAGGATTTGGA
TTTTCAACTCGTTTCCACTTTTCTGCGTTTTGAAATATTTTCTTTGGAGTTTTAATTTT
TAACAACACAGGCGAATGTGCAAATAATGAATTGGGATAACGTGTTAACAATGACAATTA
ATAAAGTTGCAGCAAATATGTACCTGTTTTTCTGTTTTTGTAAATTTCAACAAAATTTAAT
TTAATTCGGAAGTAAAATATATCGCTAAATTGTACCATCCGAACGTTTTTTTGCAAGTT
CTCTCCAAGATCCTGTCAATCTGGCAGGTCTGCCAAGAAACGGGAAAAAATCTCGTTTT
GCCATTTGTCTTTCACGTTGTTTTCTGCTCCAACCCACATGGATTACTTGAAGCTGTGTT
TGTGCGCGTCAAGAATGGAATAGACACCATGACCATATCGGATTCGGAACGACAGCAG
>EP77947 (+) Dm RAB7; range -499 to 100.

TACCAGTTGAAGCCAAAGCTTTCTCCCTGTGTAGGGTAAGCAAAAAATCAATACTCTG
ATTCTATGAAACAAATCAACATAGTGGGTCACTGCGACGCATAGCCACTATATCTTGGAT
GGAACCTAGAGCAGCTGGTGACTGCCAATACGCTATGCATAGAAACTCACGCTCTATGC
CTGGGAAACCCCATTTGGAGCAATGTTTGGAGCGGCGTCAGATGCTGCTTAGAGATGCAG
ATCCTCGTAGGGGTCTGACTTTACGCGGCGGAAGCGTGGCCATTTGATTATAGCCTCC
TATGTAAGCCAGGTGACCACCGTTTAGCAGCTTTTGGTTTTTCTGGCTGTTCAATATT
TTTCAGTGATAATTTCAACAAAAATAGGATACAATTCGTTAATTGGCCACAAAAAGTGT
TGGCTAACGACAGCCTAAAGATAGTCAACTTCTACCGATAGCTGTAACACGACTGCACTA
TCGATAACCACTACTGACCAGTAGAGATGAGAGCGATTCTCCTAGCGAGACAACAACAAA
ATTCACTGCGTAATTAATTGAATATTTTTAGTAAAACCGAAGCGCCCCACAAGAAACA
>EP77948 (+) Dm CDC25; range -499 to 100.

AAAGCTCGCGCGCCAAAATCAGTGGCCTCCATAGAGCTGGCGACCACCAAGGCGCCAGAT
TCTCCTCGTTTTCTCGGGACATTGGTATTCGGTGCGGGATTTGCGATAGGGGAAGTGCAG
GGGAAAGGATTCTACCTGTTGCCGGCACTTGTGCTCCACATGAGCAGAGATTTCCAAA
ACTGAGTCCATATGATCCTGATTCTCCATTTTCCAGTTTTCTTTTTCGCATCGCACAT
GGCTCTGGCCCCGTCCCCGTTATGTGTGTTGGTGTGCTCGTTGCCCGTCTCCCTTCCTC
TTCTATTGGCACTTCTGGGAAGGATAGGAAGGAAAGGATAGGATGGGAAGGCAAAGGAAA
GGAGCTGAGAACTAAGAGCTAAAGAGCGAAGCAGAGAGAACAAAAACGCGCGCCATCTC

GCTCGCGCCCATAGCTCATCAGCTGATCGTGATCGGCCGGGGTGCGGTTATAAAAAACCA
GCTGCTCGGCATATTACAGCATTTCTGTTCTCAGTTCTGTCGTCGAGTCAACAGCTCTTCTT
GTTACAGCTTTTCGGTTCCTCGTTTCGGTGAATTGAGATTGTGCGGTTCAAATTATTGAAGA
>EP77949 (+) Dm DOME; range -499 to 100.
CGCCTTCCGCCATTTTCGATGGTGTATTTGCGGTGTTCTCGTTTAGCTTAATTTGCACCGA
TGTAAGCTGGTCTTTTCGAGATGTTATCACGTCTGTAATTTAAATGTGTTCCGAATATATA
CGTGTTCCTCACCTAAATTATTTCCCATTTGATGAAAAGTAATTCGTCACCTTTCTCACTC
ACACGGACACACACACTCACGATGGATTTTCGATTTTGACTCTTACACACGCCAGGGCT
GACGTATCAACCACCAATCGATGAATCGATAGCGGCCAATTGAACGCTTTGAACGCGTCC
AAAACCGCTGCCAAGTAGTTTCTGCTTGAACGCTATTCGGCAGAGGGCGTTCTAGA
GATACAAGCAACGGGTGGCCTAGAATTCGAATTTTCGGCTGAAATGCGATGTTTGGCACCT
ATCGCATTTAGTGGGGCCGTTTCGTCGACAGGTAGCCCCAGTGATATCGCATATCGGACTG
CGATAACTTTTCGATAAGCGGTACACTGCGGACAAGCAACTCGTCGACAACATATATCGT
CAGCATCGCGAGCGGGGCGAGGAGAGCGATCGCCTTAGCCAACCTGAGGATTCTGCA
>EP77950 (+) Dm PAV; range -499 to 100.
GCTACAGCTCTGCATCCTGGCTGAGTTTGATTACAACCTCACCCCCGTGGAGACCTTTC
CATTGGACCAAGTCCAAGGAGAGGTACTCCATGTTCTTTATGAAGAAGGAGCTGATGCCGG
TGCTCTACTGGAAGCTGATGATGAACGGCTACTGGAACGGACCGGCACTAATGCGGAAAA
TTTTCTCAGTGCTAAAGTTTAATAAAAAAGCAATAGGGACCTCAAATGATCTTTAATTAAT
TTTAAAGAATATTTGGCATCATCATAACCATTCATACCTTAATATCATACTAATTTAT
AAACATTGTACTTTTAATTTGGTATGTGAGATCATAAATAAAAGTATTAATTAGTTTAA
AATCTAGTATATCTAAATATTTTAACCTATTCAAATGGCACGCACTGTACATAGCCTCGG
TTTCAGTATGTATCAAGTATATATTGGAGCAGGGGATGGTATTTGCAGCATTAAACGCTT
TCTAAAGTTCGGTCACTCTAAACCAAGCGTGGCGTCGCTTGGCGCTGTAATTTGAAGG
TAACGAATAAAAGAGAGATCGATTCCAGCAACAAAACAAGAAGAAACCAACTCCCGTA
>EP77951 (+) Dm SPT5; range -499 to 100.
ATGTGGTAGTGGGCACACACATGCACATCCCCCGTATGTGCATCTGTTTATACATACAG
TCTGCGCCAGATGTGTGGGGTTGATATGGTTATTGAGTGAATTGCACGGTGAACCTTGCG
GTGTTTTCACTTCAACGCCACATCGTCGATTACAGTTATGGATTGTGTCTGCCGCTGT
CTTTTATCAGCCAGTAATGGTTATTTTTAAAAATATGATTACTTATTTCTCCGTAGTAGC
CAGTGTGACCGAATCCTTCTGCTGATAATAAGCCAGCAGGGCTGTTCCCGAATTGGAAC
GGTCACTGGAGCGCTACACATCATCTGTGGAATTAAGCATTTATTTCAATTTTTATAT
TTATCTTTTTATAGCAGAGTAAATGTTTTATATTTATTTGTAATAATTTAATTTTTA
GTTTCTAATTAGCTCATGGAACTAGTTCCCACTTTGGTATTAACCTTTTCTAACGCAAGC
AATCGATAACAACAAATTTACGACTGTCCACCACTGGCGTGGAAGAATTACATTTTTTG
CTTTTGAACAATTTCGCTTAGAAAAATATCTAATTAACATAAAGGAAATAGTAAGTACTAT
>EP77952 (+) Dm PBPRP2; range -499 to 100.
TCGCTCGATGGCCCCGCCAGTCACAATCACTCATCTACCCAGAGCTGTTGATCGATTTA
ATTACAAGCGGGATTTCTCATCTCTCATTTTGCATTTAGCATTTTGCATTTTCATTTCCA
TTTCCACTAGCCATAGCCATTCCCAATTCTATATCCCCGGCATTTCAGCGATTTTCATGC
CAGTCACCAATTAAGCAGGTAAGTGGAGATCGGTGGGCCATCTCATCTGGCAGCGGCAGT
TCCAGCGGGGTGTCACTCGTTACACGATGCCAGTCGAGGGCATCTCCGCCGGATTCCG
TCCCATCCCCTCCAGAGCGCGGAGTGAAGTGGAGTGCCATGTGCCATGTGCTGCCCATG
TAGTTCATAATTGCGCGTAATTGCCGGAGCTGCTTGAGACGCAGCTGGAGATCGGCGATG
GATCCGATCTGCCAAATCAATCACGGGACTCGGCTTAGGCAATAGCTCCTATAAAACGCC
GACGTTGCCGGCGATTTCGATCCAAGTCAGAGTTCGCACGTCGCGCAGTTCAATCGCAAA
TCGAAATGTCGATCTGGTTCACCTGACCGTCCTGCTCCTAGTGGGCATCCTCTGCCTGG
>EP77953 (+) Dm SU(FU); range -499 to 100.
AGGTGATGTCACTGTTTGTCTGGCTAAACCTTTGGGAACCTAGATTTGCACAAAGCTACC
CGCATTTAATGAGCCCCATCTGCCACTTACGTTATCTATGACGACGGGCTGGTTGACGACG
ACATCATAAGGCTCCATTTTGTGCGTTTATCAAAATTTGCAATTTTCTATTAAATAGTT
GGTCAACAGGGTGACCGTAGGTGGTTGGCAGAAATAAACAGCATGAAAAATATACCACG
GCAAGAAATACTCAATATTTTACATGGTGGTGGTTTAAAGCTATATGGATATATATTTTC
ACTGTTTTTCTCTACATTTTAAAAATAAGCAGAAAAAAGTAAGAAAGTAATAATTATTAT
AAAAAAGGTTTTAAAAATAAATAATGGTTTTAAAGAAACTCATGTAAGTTTCCATTGTC
AAATCCGCACTTTACATGGCAGTATTTTATTCATGGTATATTCAAGCGGTGGTATTCCG
CAACGTTCCAACCTGAGGTCACTGATCAAACTGGATGAAATGGCCGAGGCGAATTTGGA
CAAAAAACCTGAGGTGAAGCTCCGCCGGGCTTAAGGCCATCATAGACCACCTCGGGCA
>EP77954 (+) Dm CG9686; range -499 to 100.
TTTTTATCTGTTTATGGCCTCTCCCTCAAATATCTGCAGTTTTTCGAGAATGTTCTGGC
CTCGCCAATTGTTATATAATCACTAGTAGCTCGTGCCATTGTAGGTCAATTCAGACTAG
TGCGTCTGAGTCGAGTGTAATAACCAATTGAACGTATCTCGTTTAGTATATATACTATAT
GGTCTATTTATATGCCATATTTGTACAGCTTCCGGCTTAACGGGGAAATAATCGTATTT
ATTTGGGAAATCGTAGCGATACTAGGATATACATTTAAAGGGCAACATTATCTGAATGA
CCATCACGGAATCATCGGCCGTCAGCTGTATCTCCATCCATATCATTGTGTATTTGTATC

TTTGTGCGAGTTGTGCTTAAATCAGCGCACAAATTGCGATGATTGTTGCCGTTTCGCCAATTG
AATTAAAGAAAAATGCGAAGCAAGTGACACACAAAGGCGACGGCGATACGAATAAAATGGG
TGGAAATCGAAGCGCCCCAGGTCACTCCAGTATCAGTGGAGTCAACGTTCACTCTGGTTT
TTGTGGATAAAGCCAAAGGAACCAATATATCAAGATGAATAGCTTGCAAGGATCGCTGG
>EP77955 (+) Dm ODH; range -499 to 100.

GTTTATAATACACAATTTGCCACTTAACAATATTTTTAGTTTGTGCGAGTAGCTTT
TGTTTTTAGCTGTTGTAACGGTTAAAGGAATAACAGTCTACTTTCAACGGGAACAGCTGA
CTTAGGCAAAGCAAAGTTGGCTGCGATTGTATATGCACAAGTCAGTGTGACCAAAAAAGTA
CAAGCTGATCCTGCATTGGGGATCCATGTTAAGTTATTTAGATATTTAGTTTGTGAAATG
CACAAACAGCATTTTTAATAGAAAGTTAACAAATTTTGAAAACAGTTTTAATTTTATCCGA
TTTGTAACATATATTTAATTATTTTCAAATGTAGTTTCAAAGACAAGAAAAAA
ACAAATACACGTAAGTAGCCGCATAAACCAATAAATAGTTCCTGAGTCCCGGTGAGCTT
TTAGGGTTTTTTATCGATCGTGTCTGGTCACACTGCGCTAACCGGCTTTTCCCGCTG
CTCTTCTTCTTATCATATTCTTTTCCAGTCGTTCTCCATTGCGCAATTGGACCTTGT
CGCTAAACTTTCCAATAAACCATACTGCAAAGATGTCTGCTACCGAGGGCAAGGTGAGTG
>EP77956 (+) Dm SEC61BETA; range -499 to 100.

CTAAAATCTAAAAAATACATGCAAGGTTGCACATTATCGTATCAAAATCGATTTT
ATTGATTTTCTATATATTCTATATCTATATGATCTATTAATGCGTGATTAAAGTTTTAT
TCTATATAATTATATAGTTATTAAGTATGTATTATATAATTAAATCAAGGGAAATCAAGA
ATAATAGCATTTATTATCGGAGTTTTAATAATAGCCAATTATTAATAGGATTCATTCA
AATTGATTTAAACAATTCATTTGTAGAATTAATATTTTATCTATTATTGTTATCTATTA
AATTCATAACTGAATATATTATTTCTTCGTTTTTTTTTTACTAGTTCATTTAGAGCCA
AAGCAGCCGATAGTTGAGTTGCTTAGCCTGTCTCCAGCTGTCTAAGTGCACGATAG
CTGTCACCTCAGCGTCACGACCTATCGGCAGCGGTGCCACCACCAAAGTGACGTGGAACG
AAAAAAGACGAAGCGACACGAAGCCGAGCAGTCAGATTGAGTTCAGTTCAGATTCCA
CTTCGCCCCGTTCAATTTTCCAGGTCAGTCGGTCCAGAGGAACAGATAGCCCAAATGGT
>EP77957 (+) Dm CG9984; range -499 to 100.

ATGTGTCCTGGAATTTGTTGTGCGAGTCCCGCACCAACGAACAGCTTATCAGACTCGGCT
CCTGGCACAATATGTCTTCTATAACGCTGTACACGCCGGAAGGTTGCTTACGTTCCGGT
TTACGTGGTTGTAAAGCAACTTCCACATATCCTTCCGTTGTGTCGACATTTTGCCAAGTT
TATTTAAACTCGCAAAACGCGACCTTTGTTACGAAAGCCGGCATTGCGCGCACTTGT
GGCTATCGATATGTTTGGCAGCTTCTTCTCTTTTTCTTGAATAACAGCCAGTTCCAAC
TGCGATTTTACATATATTAATTTAAAAAATAATAGTTAATATATGTTTACATTACCGCG
TTTTACTTATTGACAATTTTCTTTTTCTCCTCAAATTTAAGATTTACATTGCATAATA
TGAAATTAACAGAAGAGTTTGCTAAGTGTAAACGGCGCATAACCCGCGTAGGTGTGCGCG
TCGTGGTTAACAATTTACAGTCACACTAAAAATGCATAGTTAATCAAAATAAGAAAAATA
TTTTTATGTTATTGTAAATAAGTTTTTGAGAAAAATGGAAGTGAATACGACGACTCTG
>EP77958 (+) Dm RACA; range -499 to 100.

GATTTTTTCAGATTGGACAAACACGAAGAGAAAGTTTCCAATTAGAATGTGGTTATCGTGT
ATGGTGCAGCCGATTTATCTTGTTTTACCAATGGGCGTGGGGCGGCGACACGATGAA
CACGTCAGACATTCTGGATGGCAAGGAACAGGTGTTATTGACTTGGCTATTGAGCAGCA
AATAAATCTAATTTTCGAAATTGTATTATTGCTGCCAGAAGTGTGACCAGGTGCAGCC
AAAGCCCAGAAGCTGCACTTCTGGGGCCCGACCTACTAAAAACAGCTTGTCTCACTTC
AAATCACTGACATAAACAGGAAGACAATGAAATTATATATTTTGTAAATTCGGATTTAATT
ATAAGTAAATGCGAAACTTAAGGGTTTTATGTTTGCTTTAAGGACGAAGCCTTGAAATAA
TTTACAAATCTTAGGGTGACATTTCAATGCAGTTTTAATTTGTTTTAGTATTTTACAGC
TTTCCCATGGTAAATTTGAACAGTCCAGCCGCGGTCACTGTCAGTACACAGAAAAATTA
CTTTTTTTGTTGAGAAAAATTAGGGAAATTAACGCACAAAACGCGAGTTAAAGAGGCCAG
>EP77959 (+) Dm PUT; range -499 to 100.

TTGGTGATACCTGGATGTTATCAGCAAGCACCTTACGATGACGCTTGGCGCCCCCTTT
CCCAATCCTTTGCCCTCCCTTTCCACGACCACTCATTTCTCAGTTGCTTCGTAAAGTTGGC
TGAAAAGAAGAGAAGACGCAATAAACTGTAAAGCGACGCCATGTTTGGTGAAAGGTAAC
GTTCAATTTGACAGGTGAAACTGTTGTTAATAAGTCTGTTTTATACAAAATAATGGTCT
CCAATTATTTTTTTTATGTTTATGCACAAAAAACTTTGTTGACCGATTCTTCTATTATT
TACTTAAATTTCTCAGCAACAAAACCTCACTTCAAGAAATCTCCAGAAAATTGCTTGTGAG
CGTGACCAGATCTCGCACACCTCAAAATACCTTTGCAAAATGCGCGTATCTAGTATTTT
TATTGTCTCACTACCAGCCCTGGTCAGTTATCGCCTATCGGCCATCGCTATCGCCGCCCC
GTTGCGCAAAAAAGATTTAATCGAACCAGAAAGACGTGCTCGCACTAAAATCGCTTGAAA
ACAGGCCCGCAGACCTGCGAAAAACGAAAAAGTGCAGCGCGCATATACTTTTTCACTGT
>EP77960 (+) Dm BEN; range -499 to 100.

GTGATTAATAAATCCCGACTAAATTTATTGCTTATCCCGGGAACCTTACACTTTTTGT
TACTTCTCTTTCGTGTTTCTTCACTGGATTTGTCCCGCAATTTTCCAATCAAAATTT
CTGACAGAAAAAGCTAAGCGCTCCAAAACCTTGGGTTGTAGCGTGCCGAAGAGCTGATT
GCTATGAAACACTGTCTATTGACAGCCGCTAAGCGCTAGAGTTGTACCCGAAAATGCG
TTTTTACTAGTGCGAACAATAAAATTACCTGCGCAAAAAATGAAAAATGGGATAAAAAAC

AAGATGAGTAGCAAAGAAAATATTTAAAGATATATTTGTAAGTAACTGAGAAGG
AGGTGCAAACGTGTTGCAAAAAAATTGAATTCACATCTAGGCACCCTAGCAACCCTGTCA
TTTTGACATTGCCGCTCACACGCACGCCACACAGACGCAGTGTAGTCACAGCAACGCACA
CACACACTACCAAACGGCTACATTTTTTTTCGAGTGTGTTGACATTCATAATTTTTGTG
GTGGAGCTGCCTGCAAAATCGAATTTTATCAGTTTGCCAACGAAGTTATCGGCCATAACT
>EP77961 (+) Dm DRL; range -499 to 100.

TGTACGTATTTATATATTCTGTAATTTATTTATTTATGCTTCTGCAAGCTTCTGTCTCTC
TTTCTGTAATAAACTAACGATTTATAAAGTATAAAATGTCGTAATGTTTATTTTTGGCAA
CATGAGTTTAAATTCGAAATTTGAATCAAACACAATAAAAAAAGTTAAAGGTTAAATCA
TTATATTACATCATTAATTCGAATTCATTTGGGAAGTTTGTGGGTCTATTTTTTAAACTT
TATATGAATGTTTGTGTTAGTTAATTTAATAAAGGATATCGAACAGTATGCCAGTTTTGGT
ATTTAGCCAATTGGAGATGTTTCGATGAGATGTTTGAAGTGAACCGAGTTTCGAGGTTCCA
ACACGACTGTTATACGGGTTCACGCTTCAAGTCTACAGAACAAAGTCCACGAGCGCCAC
ACACAGTCCACAGTCCACACTCCACTCCGCTCGGCGTGGAGCCATTTCGCTTCGTGGCGA
AGTGTGTTGTTATCCAGTTGACAGTTTGTGGAAAATCGTCACGGTGAGCGGATCAAACGC
GGAAAACGAACGCGGACGAACGGCGAGAAAAGCGAGGAAAACGGGTGCAGAGACAGAGA
>EP77962 (+) Dm CDC2; range -499 to 100.

AAAAAATAAAAAAACTATGTTATATATGTTATGCACATTTGCGGCATGCATATAGGTG
TGTCAAGATATCGACAAAGAGCTTAGTAATTTTGAACAACAAAAATGAAGTAAACAGT
TGCGGTATTCCAATTACATTTTTTAAATTAATTTCTTTAGTACCGTACTACTGGTACTCA
CCTTCAAAGATATAAAATAGAAATTAATTGCACCAAAACTCATAAGTTAATTAATAGT
ATATTAGCAGAAACGTTTGTCTCCGAACCTCAAACAAAGTATGCTTAATTAATTGAAAT
CACTATAAAAAAAGCGTGGAAATTTACAGTACACTAAAATTAACCTTTAAAAAATTAAC
AACATTTTTAAGATACAGCAATTCATAAGTTGCCTGAATATTGAGTTTCATTCCCACAT
TCCAAATGAATAAATGTAGCTAGCTTAGCATCGTTTAACTGTCTGGTAATACTAGAGCA
TATACGTCAAAAACGCGCTAATTTAAAAGTCGGTGGCTTGCAAAGAAATAGCTTAATAAA
TTATGGAGGATTTTGAGAAAATTGAGAAGATTGGCGAGGGCACATATGGCGTGGTGTATA
>EP77963 (+) Dm MKK4; range -499 to 100.

GAAACCACAAAGCCATAGTGCTTGACAGGCCAGTTGCCGGTCAAAGACCACCTCCGC
GTTGGCCACGTGCCCGTACTTTGAGAAGTAGGTCCGCAGTTCCTTGCTACCTATCGTCCA
TGGCAGGTTGCCGACGAACAATTTGTAGCTGCTGCGAACAAATCCGCTGGACATGATTAT
GTATGTTTTAATTTTCTGGTTTTAAATCACTGGTGATTGTGCATTGATTTAAGGTGGCG
CAGATTGGTTTTATGATGGCTGCGACGTCACTTATTGACGAAATGTAACCTTTCACTAGT
AAAAAATTTAAACAAAGCTGGGATTAATTTGTGAAAAATAGAAACTCAAATCTCTGGTTT
TAAAGAAATAATTTATTTATAGGTGACATTTTTATATTCTGTTTTATTACCCACCTCACTAC
TTTTGCACCTTGCAAGACTGCTTATCGCAAGCTAGTGCGCATACTATCGATGGCTATCGA
TTGGCCGCAAATAATCAATGTTTCATCTCTAGCTCTTTAAGTTTTGGTTGCTATTTATG
TAAATGTTTAGCGAAATTGCGGAAAAAGTGCATATCAGTGCCTCGATTGCTGAAAAAGT
>EP77964 (+) Dm SOX70D; range -499 to 100.

CCGCCGTGCAACAATAACGGAATTTGTGTGCCACTGTGCGAAAATCAATGTGCTCCCG
CGCTCGCCCTGGCTCTCTTTCTCTCTCTCGCTCCGTAATTTGAGCTCCCCTGCCCCACA
GGATTGGGGTTCGCTAAATCGAATAACACGAAGCACAGCCGAACGAGAGCTGCCTGGCTTT
TGGCTCTATTGAGCTCCTCTATTGAACACACCCCTCAATGGGCGAACAACTATAACCGAT
ATAAAGGAGCCAATGGAACAAAGCCAGTGGAAATGGGCGCAAAACGAAAGAGAGAAG
ACGCTATGTGTGAGTGAGAGCGCGACGACGGCGCAGCTCTCTCCAGGTAAAGAGCCAG
CCTCTATCCCGCTCGCACCCACGTGGCTTACGTAAGGTAATGGTGCGAGGGTTGCTCGC
ACTTCGTGCTCAACTCTCTCCGAGAGAAACGGGATTTGGCTGCAGTCGTGTAGGCCGCA
CTGGAACACTACTGAAATCAGTCACAAAAAGCAGTCGATCCGAGCAGAAAGCAAAGCAAG
AGCAAAGCAGAAAGCAAAGCAAGACAGTAATTGACATAGAGACAAAGAAAAATCTGAGA
>EP77965 (+) Dm EG 86E4; range -499 to 100.

GTTGAGTTGTGGAATCGTGTTCAAGTGCTTATCGCAGCCGTTTGTGTTTTCTCGCTTGC
TGTGTTGTTGTTGTTGTTGCTCCATCAAGGTGGGTGTATCGCACACACACGCACACGCA
CACACTCGCGCCAGGGGCACTTATTCATCGGCAATGCGATGACAATTATTGGCAATCCA
GCGCGATCTTACTAGGCTCGGCCGCTGATGGGGCGGGGAGAGGTGGGTGTTAGTACAC
ACAGCACAGACAGAGTGGCACGCGTGCTAATTACCGCTGCGATCATTATTTATTTCCA
ATTATTTTCCGGGCGACTCTGTAGCCGTTTTCGCGGTGTGACCAAGTGTGGCAATGCTAC
GAAATGCGGCGTTTCGAGCGAGTCCAATCAGAAATGGTTGGCGACCCGACTAAGCGTGTGA
CCAGCCTGCAAGTGCCATTACATACCGCATACCGCTGCCGCAATCGCTCCAGTGGCCAG
CAAACGAGTTGAATTTTTGGGGAACTACTGGGTTGCAACGCGAGAAGATGGCCCAATTC
GAGAAGGAGATCGTTACAGGCGGTGCTGATCGCCGACAACAATGTGTGGAACCTCAAGCCC
>EP77966 (+) Dm SCP2; range -499 to 100.

AGGCGTGTAAACCCCTGAGCCCAACATTGTATGCGAATGCCGCTCCGATAAGACGTGCCA
TTTAATTACCAAAATATAAAGTGCATTCGGCTACCAGAGCGCCAGCATGGAGTTTTCT
GCGAGTGTCAAATCCCAAAACAAACCCACGAGCAAATATGCCGATGCTGATGACGACGG
CGATGCCGATGTTCCGCTCGTAACAGTGACGTGGTGGCCAAAAAGCACGCTACATGCAC

TACATCTACTCATACACTTACTCACACACGCGACACACACACACACACACAGGCT
CGTGTGCGGGTGACGACTCACTCACACCATGACGAGTGCAGAGGCGTCGCGAGAGTCGAC
CGAGACGGCGACTGCGATAAGATAAAGCCCTGCGATGACATAGAGCACCCAGAGCGCTC
GAGTTCTGCCGACGCTGGCAGAGATGGCGGCGCAGACGAGTAGCGCATATAAAGCCGCT
GACTCGATGGCAACGAGCATCACAAGACGGCAACCGCGCTGCCGAGCAGACGAGTCCAG
TTCGAGAGGGTACCAAAATTTAATCAGAAAGTGTAGAGTCAGTTTAGAAGCAACGGTAAA
>EP77967 (+) Dm ACE; range -499 to 100.

AGAGAGCAAGAGAGCGAGAGCTGACTTTGTATGTGTGTTAAAGTGTGCGATCGATTTTC
GGTTGCCCCACGAAAACAAACAGAATCAAAAATATAAAAAAACTAACAAAATGTTT
AAGACTTTTTAAAGCTCATTAAAGACTACCAACAATTAACAAAAATATTTGCTTAAC
GGAGGGTCTCTCAAATAAACAAACACGCGGACCCTTGAGATAATGAAATTTGGTATGGC
TCGCTAGAGCAACAACAAATGCGGCAAAATGTCGAGAAAAAGTTTCCGATTTTGATTG
CGAACAACAAACAAAGCTAAAGCTTCAGGCCAAAAATAAGAGAGAGAGAGAGATGGTATAA
CAGTCGCTCAAAAGCTGTCGAGAGAGAGGGAGAGAAAAGAGAGAGTGAAGCATAGTCCC
GCTATTTTGCCGAGAGAAAATAAGAGCAGAAAAGCAATGTCCGTTTAAAGTACGCATTGC
GATGCCTTTTAGCTTCAGTTAGCTAGAGACATCGTCGTGTTTGAACGGCTGACACAGT
TTCGGAGTTCAGCGGATCGAGCGGACTACGCCACACTAGTATTCAGTTCAGTGCACAAA
>EP77969 (+) Dm RPL23A; range -499 to 100.

AGGAAATTAGGTCTATTAAGAATAAGCCTCAGGAACAGGCCACTCAGGCATCTGTAAAT
CGCAAACTTTTGGTAAGCCGCTATTCGAAAATTCTTATCCTATCAGCTTATATTTATTCT
TATTTAGATTTACGCAACTTCTTTGGAAGCCGCTCTCGCAACAGAAAAGTGGCTGTACT
TGCTAGCCTGCAGATTGCACAACCTGTATTTTAGCTTAACGTAAGACATTGAATAAAAC
AGTTTTAAACAATTTGGTTACTTCTTTGCTTTAAATTCGAATTCAACAAGTACCGTTAC
ATTTTAAACACCGTTAGCGTTGCCACTCATTTTTGCGGTGTGTTGCACGCGCACAGTGT
CAAGATAGCAAGCCAGACACGGCTAATAAGTGCCGCAGCAGTGTGCCAAACGCACTGAA
TGGGTGCCAAATTCAGCTATCTGGCCACCCTCTGTCAAAACGGGCTTCCGCCTTTTGA
CAACTGCCCTCAGTTTTCTTTTCAATTTCTTTTCTCGTAGAAATGCCACCCAAAAAGC
CAACCGAGAAATCCGGTAAGGATTTTTCATTCAAAAATATGCGAAAAATGCGTGAATCGA
>EP77970 (+) Dm RPL1; range -499 to 100.

AATTGCCGCTTCGCACTAGTGTGGCACATTTAGCTACTTTATAGCTATATAAACGGATAA
CAGAATGCTGTTAATTAATAGCCATATATCTATTTAGTAAATTTTTTTGTTTTAACATGA
ACATTTAAGCAAAAAATAAGCGTTGTTTTCTACCAATAAAAAGTTGTGTAAGTTAGTTTT
TAACGTATGATGTTATGATTTGTTGATTATTTATTATGCGGTTAAATTACAACAAT
TGTTATCTTGTTCTTTAAAAACGCAATTGCTAATTTATAAATTTAACTAAAATACGTTATT
GATAAATTCGAATTTAGATTTGTAATATTATAGTTTAATTGCGAGAATATAAACAAAAAC
TTCTCTTACGAGAGAAAAAAAAGCTAAAAGTGTGGACAGCGTCCAATTAGCCCTGTAA
GCTTGACACTTGCTGCTGTAGCAATGCAACCATGCGCCGTGGAACGCGATTGGCAGCC
ATTTCCGGCAGCTCTCTTTCTTTCTTCTGTTCTTCTAATAAAAAGAGGACGGTATCTGCG
TTTGCAGAATATTTAGCACCTTTCATTGGGTTTGAATCAACGAAAATGGTGAGAAACG
>EP77971 (+) Dm M(3)95A; range -499 to 100.

ATTTGAATCTTCTGAAATTATAATGAATTCTAAAGACAAGTTTTTGTGCAAAATGGTATCA
TTTTTTTTAAGTTTTATCAAAATATATTTGCAAATTGTAAGTAGTATGTATTTAAAAATAA
TAGTATAATAAGATTTAAATAATTAACCAATTTTATTCAAACCTATTATTTTTAACCAT
ACAGATAAATCCAAAACATAAATTTTACACAATTTTGAATGTCACCTTAGGTTTGTG
TACAAGCTTGTGTAATCTAGTTCCGAACCATGTCTGCCTAGTACTACTGTGAATCAAT
TTAAGTAAAAACGAGGCAGAAACAGCAATAGCTAAAAAACATTTTAAATTAATGAATAT
TAAAGTAATTTAAATAAATTTGTTTAATTCAGTAGTGTATAACTGTAATTTTTGGAAACC
AAATTGGTATATAGTGGTATTTATTTCCAGACCGGGTGGTATTTTTTAACTGTCTCGCG
CGGGCACACTGGCCTCTTTCTTTCTGCGCACACGTTTCCGATTGACGTCAAAATGAA
TGCGAACCTTCGATTTCCAAGAAACGCAAGGTAATTGGGGAATAATGAGACAGGATTAC
>EP77972 (+) Dm RPP0; range -499 to 100.

CTCTCGATGCCAGAATCTTGTAATATCCTTACCCATTGTGGTGAAATGGTATTCTCCT
TGTTCTGGCTGAGATGGTCGTCTAGCGGTGTTGCGCCGTGTATGGAATGTGAGGCAGCGT
CTCGACTTGTGGTGCTTATGTGGAATGCGAGTATATATTGCTGATTGCTGATCGCTGAT
TTAAAACATTATTACAAATAAACAGTCAATCGATAAATTATCGGCCGCCAGTGGCCAGAG
TGACCCTACCTTACCACCAGAAGCACTGTTAGTTAACAGAAGAGATTCTGACGATCGTAG
CAGCTGTATAGGAGCACTATTAGCCTATTAGTAATTAATGATCTGTTAAATCTATCTTTT
TTGAGTACTTTAAAAGGAATTACACATTTGAAAAATAGAAAAATATTCATATCGCTTACCG
GTTTTGGTATTTTTTTCAGACCGTGCGGTATCTTATTCGCCATCGAAGCGGTACACTGGG
TGCCGCCGCCAACTTCACTCTTTCCGTTCTGTGAGCGAAAAACGAAAAAGTCTGTGCTTTG
GTAAGTGTGCTAAAAGTTCCGAATAATGTTGCATCCCGAGCATTTTCGGGTACATAACT
>EP77973 (+) Dm CG9282; range -499 to 100.

ACTACAAATCAATGAAGAGGAGGATTTTGAGCTGCAGCAAGCGGATCCGCTGGTGGACTA
AATATGACTTTTCGTTTCAAATTAGGCGCGAAATCGATCCAATAAGAGTAGCTTCCATTGT
AAATGACTTAAAAATTTAATTTGTCTGTTCCAAAATTGCGAAAAACGTAATAGATTAAA

AAAAAAGAGAAAAGTACAGAAAAGTTGCATACAATTTTAAAATTCAATTTCTCTTAGTTC
TTAATTGAAAGTTTTGGGGTTTTTCCATTGCAATAATTTGTATATTGTTTGTATTATGT
GTGTATTATAGCACACACAACAAATAAAAAATACAAAAAGAATAACCTTAATATTTTAATT
TTTCAATTTCTGTGCGCTAACAGCGCGCAGTTAACAGCACGCCTTCGGCACGTGGTGGTA
TTTTTTAGGTTTTTTCTGCTGCCCGTGGCAGCCACACTAATTTGGCTCAGCTTTTCGTTT
CCACTTCCGTTTTCTTTCTTTCTGTTTCTACGCCAGCAAGATGAAGTACGTTAATGA
AAAGCGTTGAAATGCTCGGTTAATTGTGGTATTTCGGCATTGTCTAACCCCATTTTCGGCAA
>EP77974 (+) Dm RACK1; range -499 to 100.

CTTGACATTTCTACAAAAATACCGACTAAAACCTGTGGATGGTATCCTTACTATTTGGCC
AACAGTTACCAAGTAAACTAGAAAATAAAGTGGGATCAACGCTCACCGTTTTTTTTTACA
TTATTACGTGATAGTGACAAAATAAAGTATGTACATAGGCATTTGGGCAACAAGATATT
GGGATTGTTTTAAAAATCCTTTAGTAGTCTTTTCATAGATGTGCATTAGCGTCGATTATTT
CTTAAATAATAGCACAATTTGTTTTAAACTAAACTTCAATATTTCTGGGGTTCTTTAGA
TATAATAATATTAATACTTGGTGTAAGTATTTATTTTTTTTATATATATTTTAAAGTT
TTTGATATTATTATTTGACGTTACATTTTACACGTATTATTTGTAACAGAAAATTCAAAC
TATCGATAGTTTTGTCTGTCCAACACTGAACGCTCGCTGACAGTTGGCATCTTAGCGAG
CACTGGAACCGGAACCTGCTCTTTTCTGCCAGCTTGACGCGCTTTGGACGTGTTTCCT
TCGCGCTCCGTAGCAAATAATATAAACTCAAGATGTCCGAGACCCTGCAATTGCGCGGTA
>EP77975 (+) Dm RPL19; range -499 to 100.

CGGCAGCGAGGCGAAAGACCGACTGACCGTTGTGTTGGCTTCGAGATGGACCCAGCTTC
CTGTCCCCCGGAGGCTGCCACTGTGGGTCTGGGCTGCAACGCATCAGGGATATCCGGGC
CATGCCCAAGCAGCGTATAAGCGTGTGCTGCATTGCAGAAATTGCACTCTGAACAGCTGC
AACTGGGCTAAAAAGTTGTTTTGTTTTCTTAGCCAATTTAGTGTGACCGCAAGTAGAT
AAATAAAATATACCAAGCTTCGTTACTTAATTGCTCTAACTTAATTGCAACAATATAAAT
ATGGCCGGATCTTGACATCCAAGCTGCTGAAACCGCACAAAGTAGTTGTTATTAAATA
TTTTTTTTTAAATAAATCTTGCCACTCCGCTTAAACTAGTACATCCCCGAGGCGTTGCCAG
ACCCCCGAGTACGTTATCGATGTATCGATAGCACCTTCAGAAAATGGTGCTGACTTCCG
GCTGTCAAATTTTTCTTTCTTTCTAGCCACGACGAGGTCGACAGCATGAGGTAGATTG
AGTTTCGCAAATATGAGCGAAAAGTTGCGCTCGCGGGTCTAAATGTTTGCAAAGTGTC
>EP77977 (+) Dm YP1_2; range -499 to 100.

GCCAAGATCGGCAAGTGGATCGTCCAGATGGTCAACGAGTTGGACATGCCCTTCGATACC
ATTCACCTGATTGGCCAGAATGTGGGTGCCCATGTTGCCGGTGCCGCTGCCCAGGAATTC
ACCCGCTCACCGGACACAAGCTGCGCCGTGTACCCGGTCTGGATCCCTCCAAGATCGTG
GCCAAGAGCAAGAACACCTTGACCGGTCTGGCTCGCGGTGATGCTGAATTGTTGACGCC
ATCCACACCTCGGTCTACGGCATGGGCACCCCATCCGCTCCGGTGATGTTGACTTCTAT
CCCAATGGACCTGCCGCCGGTGTTCCCGGAGCCAGCAACGTGGTGGAGGCCGCCATGCGT
GCCACCCGCTACTTCGCCGAGTCCGTGCGTCCCGAAACGAGAGGAGCTTCCCGCCGTG
CCAGCCAACCTCCCTGCAGCAGTACAAGCAGAACGATGGATTTCGGCAAGCGTGCTACATG
GGCATCGATACCGCTCACGATCTCGAGGGTGAATCTGACAGGTGAACCCCAAGTCT
CCTTTTCGGCCGAACGCACCCGCCAGAAGCAGAGCAGTACCACGGTGTCCACCAGGCG
>EP77978 (+) Dm RPL7; range -499 to 100.

CAGTGTCGTCATAAAGGCAAGGTTCCAATTTATAGCGCTGTTGGTGATTGATAGTGATC
TAAAAAGTATACGGTATTCAAATTAATTAGGTAAATTAAGTGAAATGAAGTAAATGTAA
GATACGACTCATCTCCACATATATATAAAAGATTATAAAATAAGTAGTATTACTTAACAC
AGCCCATGAAGACAGCTCGCACAAATGAATTCATGAACCTAAGGGCGGCTTAAATACACTAT
TAACATGTTTAAACCAACTTACCTAGTAATTAGCAATCGGAAATAGTTGAAAAACACAAC
TTTTTGCTAAAAAATAAATCCGCGCAATTTGCTGTTGCTCTGCTAGTGGTGGCACTTCT
TCGATAGCCCACTCCGCGGCCAGTGTGACCGTTTGGCCGATGGCGCGCGTGTACGTTGTG
CACGCAATTCGACGACTGAAAGCAGGTTGTACCGATTGACAGCCCGAAGTTGGCGTA
TAGCACGTTTTCCGGTCTTTTCTTTCCCTTTTACCAGCGTGTGACGTGACTAGTAAAA
GGTTAGTGCGATATTTTCAATAAAAAATACCATCCAAAGTGAAAGGAAACCGCTCAAATGC
>EP77979 (+) Dm RPL18A; range -499 to 100.

TTGTTTCGCGCTTTTTTACCCTATTTTAGTAGCTGCACATTGGGTAGCGTATGGGGATT
GGATATTTTACAATTTGGCTGCGGAGAGAGCTCGAATAAAGCGTGAAAAACAAGTTTTTA
GCAATATTTTTCGCTTTTTTACAGCCATGCCATTGAAACACGCGCAGAAAGCTAGTGATG
GACGATAGTTTCGATAGCTGGCGCAGCGTGTGGTGTGACTGCCAAAAATGCAACCGTGTG
ACAGGCATCGCTGTGCTTTTCCCTTTCGGTTCAATGTAAGCATATCGATACTTGGCCAGT
ACCAGCAATTATTGTTAAATCTTATTTACACGGGCTATTTAAAAATATTATCTTGAGTA
ATTATCTTAATTTTAAACGAACCATATAGCACGTCCAGTATCACAGTGGATCAATCATA
ACTAATATTCGTAGTTAGCTATCGATAGTTTTTCCATCCCTGAATCGAGGTTCAAGTGTG
ATACCGATTGACAAGCTCTTTCCGTTTCTTTTCGCGTGAACGTCCAACATGAGAGCCA
AGGGATTGGTTAGTATTTGCCAAAATAAATGATTTATACAATCATTATTTTAGTTTTAAAA
>EP77980 (+) Dm CG12775; range -499 to 100.

TTCGAAAAAATACGATTATCAGATCATGAATGACTTTTCTTAAAGGGAGCAAATTA
TACTGAGTAAGTCCACGGTAGTAAAGACTTAGGCAGAACGGTTCCTGAAAAATTAATTT

ATTAAATGGGGCAGGACTTTATCTTCCTTAAGGTTATATGTATCTTCAAAATTGTATCAA
CAAATTCGCTTAAATCACAAATTATTCCCATAGCGCATATTAACGTCTTGGAGTTGAACA
CTTCTCTCAGCGATTATTTGTATCTAGACATTTGTATGTAGTGCAATTTTATATATAATG
TTTTTATATAATGTAAATATATGTATTACATAAAATATTGCATTAAATCCTTATTAATACC
AAATATTCAGACTTTGGGACTATTTTGCTTCTCTTAAAGATTAAAGCTTATTGTGTAACCT
AGTGTGGACGGTACATAATTTAGTTTCTAAACTCTTAATTGCTATCAGTGGCAACGCT
ATTCAAGTAGCCATCTTTCTTTCTTTCTCAACTATACGACCGGTGGACGTAAGTTCAA
CGAGTTTTGTGAATATTTCTTCATTATGACTTGAAAAAGATCTAATAAGCCTCTTTTTT
>EP77981 (+) Dm RPL14; range -499 to 100.

CATCTCGCGCATCCGTGGGACGCTTCAAGGTCAAGGAGCTCTCCGGCTCCGGCTTGGGCG
CCTTGTGCGCTTGCAAGTGCCTTTTTCTACGGGTAAAAAATTGTTAATATAAATAATCAC
ATTTGTGGCATGAGTTTTCCACCTTTTTCTTGAGTTTCTGATACTTGGCCTGCAGCATT
TGCTCCTCTTCGGTTAAATTGTTGGGGAAGTGTATGTAAACCATGTTGGGAAAATGTCTG
CTTGAAATTAACCCCGTAAAAAGTAACTTCTACAAAAGTAATTATGTTATTCCAAAATGT
TTATTTTTACTATCGAAATCTATCGAATTGGCTTAGTGTGACTGTAACAGTTGATAGCGA
AAAATACCACATAAGATGTGTATGATTTACTGTACATTAACATTTTCTGCACAACACTA
GACCACATGCAACTCTGTGTTTAGCAACACTAACGCCATGCTACCACCGAGCTGTCAAAA
AAGTTCTTTCTCTCTCTTTCTTCCGGTTAGCGTCATGGTAAGAATCGACGAAGGTTTCT
GCGGATCGGTTGAAAAATGTGAAAAATTCAGCGGTCTAAATGGCCCCGAGATGAATTAAATT
>EP77982 (+) Dm MAC; range -499 to 100.

GCTCTGGGCACTGGCTGGTACTCTCCGGGTATCTCATGCACTACGCGACGCTCGGACATG
GCAAGGGGATCAGGACTAATGCTGACTGGCCATTGTCAAACATTTTTTACAGCCGAGCCT
ATTTATTATTCGCGCAGTTGTGGGAAAGTATCACCCGCCACGCAAACAAATGGGCAGTG
TTGGACAGCACAGCGCGGTAGTCGTCTGCGCTGGCTGCTAAAAAAAAGCTAAAGGATAAA
TTAATCCAAGTCCCTGCTCAGAAAAATAAGTTGTCGTGAGTGCATTATTTAGCATTAC
TTCGATTTAAGTTTTAACGCCATAGAGTCCATTAATTCTTGAAGTTAATAAATGTTTA
TCGCTTTAATTCAAAACCTGATAACTTTCTATGGTCCTATTTATTTAACGACCCAATTTT
GGCGGGAAACAAGCCGCGGGAACATTGCTGACGCGTATGCGTGACGCCAGCTAACACTGG
TCGCCGTGGTAAAGAATTTAGTCTGTCTTAAAATCTTCCGGCTGAGAGGGCTGAAAAATT
TGACGGCTTCGAAGCATTGCTGCAATATCAATTTGTCGGGTTTATTTGAGTATCGCT
>EP77983 (+) Dm CG2099; range -499 to 100.

TATACCCCATTAATCTGCAGATAGTGTTACTTGCTTTTTCTATTAGCGGAATAAATTTA
CCATATTAAGGATATATTTATCTATAATTTATCCCTTTTATTCTTTAAAATGTGGTTAG
TTGGCAAAAGCTTGGTAAACTAAAAATGTAAATTAACAGAGGAAAACAATTATATTTAA
TAATTTTATACATAAAGTTGAATGTTAGAAAGGAACCATCTAAATGAGCCTAAGCAGTTG
TTTTTTATAGTTTTAACAGAGAAGAGCATATGGTTTCTTCAACCCGATTTAACTAACCC
ATGTTTCGTATCTTGAGTATGCATAAACTGTGAATACAAATTTAAATTTAAACAATGTAT
TGTCTATTTTTACTAAGGGTTTTCTTTCAACTGAGGTTTATTTGCCCTAACAGCAC
ACTTTGAGCAACGCGCGCTGTTTCACTTAACATATCGCGTTTTTGTGGCGTCTAGAGG
CAGCCACACTATTTCTTTCTTTCTGCTTTCCGGCGAAGTAAGTAAATTAATTTCT
TCTGTATATTTCTTTAATAATATTCTGTTTTTGTTTTAGCGGTGTTAATACATTCAAT
>EP77984 (+) Dm CHIT; range -499 to 100.

TAAGTGAGTTGAGGAAAAAGAACAAAAATAAATTTCTCGACATCTAAGTCGTAAAAAT
TTAAATATGTTTGTGCAAGCCACACAAAAGTACTGGAATTAATACAGTGGAACAAGC
TTAGAAGGACGACTTACATGTACAAGTCAACTAAGGTCTTCAAAAATAGTTTAAACAGT
TAAATTCAGATGAGTGAAATATAAAATGTAGTATCATATTTTTTAAAGTTTATAGTCAG
GTGCGTAGGAATAAGCGCTGTCAAAAAGAAAGTATATTTGAAATTAGCAACTAGCAGT
AGGTATAGGCCTAGTCCACCTTATTCACCTCTCCACTGTATTTATTTCTAATGATCGCACG
TCCGAGCTTAGCTTTGTTTATCAGTCAACACTTTGCTCTCAACCCACAACAGCAACAAAA
AAAAAAAACCAAGAACCAATGACGACCAGTCTCAACCTTCGACAAGCTGGGATGC
GAAGTAAAGCCCCAGTTTCAGTTCCAAGTCGACACTTGAGCGGCGCACAACTCAACGGTA
TCAAGTGAATCCGCGAATCAAAGATGATCATTAAAGCCCTAGCGATCGTTTCGCTGTGC
>EP77985 (+) Dm NAP1; range -499 to 100.

AATGTTTATATTTTTCCAACCTTAGGCTTTTATTTTAAAGCGAAGTTATTTTAAATATAGT
TATAACTTAAGCCACAGCTGTTTTATTTGGTTTGTGTTAGCCGATAGTATCGATAGGCAA
TTCAGGATCACAAAGCATCTCGATTCTTAAATTTACCGCTATATTTGAAAATAAAGTTC
AGTTTGTTAAAAAATATTAATTTAATAAATAGTTAGCATACAACGATTAACCTAATTA
CTGATCTGGTGCAATAAAGGTGAGGCTTTGCTTGTGTTAACAATAAATGAATTTTAA
ATGTGCAGGTTAACTAGCTATGCGAGTACAACCTTGTAATAGAACATTCAAATATTATC
TAAAAATTAATAAAAAAATTAATAATATTGTTGCACTGGGAGGGTTTGGCTCTCGGCTG
GGAAGGTAGTGTGACCACAGCCTGTGATGAAATAGCACGTTTCGAAAGAAAATGGACCCC
TCACCGCCAAAGCGCAGCATTCTTTTTAAACATTTTCGTGGCGGTGCTCATCGTGCCTC
TGTTCTAACCGAAGGTAAGTGGCGAATTTCTGACTGATTGACAGCAATTCGGGGGCAAC
>EP77986 (+) Dm M(1)15D; range -499 to 100.

CATATTTTTTTCCACTTACAAAATCAAATAAAGAACTATATGTTATAAATATATATGCAT

TACGATTTAAATAACTTTTTATTTTACAGTCAGTGAAATAATAACATTTAATACTCAAGC
ATATCAAAATTTCTATAAGGTGACCGTAATAAAGAAAATTTGGCATGCGAATTTCAACTA
TCGCCACCCGTTGTGACTGGCAAAACCGCGAAATGCCGCATATCGATAGAAAGTTCGAAA
TTTGTCTATTAATAAAGTGGCTTAAACTAATAGTATGCCTGAAAGCAGGGTATATTTCTA
TGAAGTACATATAAATGTGCAACTCAAGTAGCAAACGCGTTGAAAAAGTGATTAAGTCG
AGGAATAATCCCACTCATGGCCGCTATCTCCGTTGATAGTTCACTTGTTCGCGAGCC
CTGGCAGCCGGAATGCAACCGTGTGCGTGTGCGGGAAGCGGACTCTCTGGCGTTGCTGC
ACACTGCCGTAACATGTTCTTTTCAGGCGTTTGCTTTGCGCTGACATCGTATCTCGAT
TTCTTCTGTGACAAAGTAAGGGATTTTCAACGTTTAATTGTGTGGATTGTGGCCAGAGGA
>EP77987 (+) Dm CRC_1; range -499 to 100.

AAATACTATGAACTTTATCGGGTGAAAACCTTAATTGTTAACATGTGATGTAAGTGTGAGT
TAAATTTTCAAACCCCTTAAGCCGTTAAAAAGCTTAGGAATGTTCTGGAAGCACAACCTG
TTCTTCTGTAACTACTACAATTGTTAAGTAGTAGAAGAATTGTTATTGGAGTAATTTTA
TGTTTTCTTAGCTTAGCCTGCTGCAAGTGATTAATTGTATGCCAGAATATATTAATTTTA
TATATTTTATAATTTAATTTAATTAGCAAACGGTCACTTTAGTGTTTCTAATTCCAGCTC
AAGCAATCGATAGCGACAGGGCAGCATGCGATTGCTTATCGAAATCAGCCCTGGCCGGTG
AAAAAAGTACGTAGACATCCCTGATTGGCCTGATTTGGGCAATGAAAACGTTCCAGCA
AACCAATTTTCAGTAACAAGCCGTCCCGCTCCGACACGCACGATTTAGATGCAATAAATAA
ATAGCACTTTCTTGCCGGCATTTAGTACTTAACTTTAACCGAGTTCGGACAACCATCGGA
GTTGGAAGAGTCAGTCCAAAAAGTGGTGGGGATCGTTCACATGATGTGGTGCAAAACAG
>EP77988 (+) Dm CRC_2; range -499 to 100.

TGTGAGTTAAATTTTCAAACCCCTTAAGCCGTTAAAAAGCTTAGGAATGTTCTGGAAGC
ACAACCTGTTCTTCTGTAACTACTACAATTGTTAAGTAGTAGAAGAATTGTTATTGGAGT
AATTTTATGTTTTCTTAGCTTAGCCTGCTGCAAGTGATTAATTGTATGCCAGAATATATT
AATTTTATATATTTTATAATTTAATTTAATTAGCAAACGGTCACTTTAGTGTTTCTAATT
CCAGCTCAAGCAATCGATAGCGACAGGGCAGCATGCGATTGCTTATCGAAATCAGCCCTG
GCCGGTGAAAAAGAATACGTAGACATCCCTGATTGGCCTGATTTGGGCAATGAAAACGT
TCCAGCAAACCAATTTTCAGTAACAAGCCGTCCCGCTCCGACACGCACGATTTAGATGCAA
TAAATAAATAGCACTTTCTTGCCGGCATTTAGTACTTAACTTTAACCGAGTTCGGACAAC
CATCGGAGTTGGAAGAGTCAGTCCAAAAAGTGGTGGGGATCGTTCACATGATGTGGTGC
AAAACAGTGATAGTGTTGCTGGCGACAGTCGGCTTTATTAGTGCCGAGGTTTATCTGAAG
>EP77989 (+) Dm TRIP1; range -499 to 100.

CCCCCAAACCTGCTGGGACTACGGGAACCGTCGAACAAATCCGCAAAGTGTGCAAGGCCT
TCAGGGTTTTATTTCAGCGCTGGACCGGGACGAGGACAACGATTATATTGTGGATCACA
CCATCATCATGTACCTGGTCAATCCCGATGGCGAGTTTGTGATTACTACGGCCAAAATC
GGGACAAGGACCAAGTGTGTGGCATCCATTTTGGTGAACATAGCCAAGTGAATTCATGA
ACAAAAAGGGATGGTTTCAGCTAGGCTGGCTAAGCTAGGCAAATGTTGTTTCGTTGTATTT
ACTTAATGTATGGCATAAAATATGGTTTTTACTTGATGTATATCAAGTTTTAAATCCAAA
TTTTCGTTTATATTGGCTATACCTTAAGTTCTAGATTGTAAAAATTTCTGGTTGTTCAAA
ATAAACTTGATTAACGGTATTTTTTAGATCCCCCTGGTATATCGAAGTGAGATTTTGACT
AGGCCACGGTCACACTGCTCTTTTGGCGTGTAGTGCTGCGTGGATGTTGTTGCAAAAATA
TTCGTTTTCTCGCAACAAATAACAATATAATAACAAATGGTGCGTGCCTGGTCAATGACT
>EP77990 (+) Dm HSC70-5; range -499 to 100.

TTTTACGCAATGACTATACATGTGTTGAATGTTCCGATAGTTGACGATGGTTTGCTCCAA
CTGGGTTTTGTTTTGAGATACGGTCATACTGCGGATGTACGGTCTCACTACAACAGCGAC
ACCAGTGGTAAAAAATATGTAGGTTAATCGGAAATCACAAATGTTAAATGTGTTGCAATT
GCTATTTATTTAGATGCCACTTGTTTAGTTTATAACTTTAATGAAATAAATATCTTATTA
AAATTAAGAAAGTAAACAATATTTTATCCGAACTAATCTTTGAATATAAAATTTTGCTGT
TTCTTTTTCACTTTACATCTAGTTTGTCTTTCATTTACTATGTTTTCAAACACCTTGCTGT
GAAGGGCCATTGAAATATTTAAAGTTTTATACACCACAATTCGTTGAAGAAACACTTTCA
CACCGTTGACAACCTCTGGCACGCGAGTTGCGGGAACCTATCGCATTGCCCGTCGCACAGA
GACAAGCCCAGTCCACCCTTACCTTACAGTCCTCTCACGGGAAGAAACGTGCTCCGCC
GTTCTGACGAAATTTTGTCTTTAATTTGACAATTGTTTCGTGTGAAATTGCAGAAGTAAA
>EP77991 (+) Dm BEST GH08269; range -499 to 100.

CGGAGGCGCTTCCAGCGGGCTTCGCACAGACGCCAGCTCCTTTGCCAGAATCAGGTTGT
TCAGACGCGCGGTGCGCACGCTAATCGGCTCCATCTTGGGTGGCATGATGGACTCACTTT
TATTTGCAATTTTCTCACATAAATAATAACAATTAGAAATCCGTAATGCCAGAGCATTT
TTCTGCCGTTTTCGCTTTGAAAAAATGCGCCGAGGGAAGCCGAAGAGCCAGGGATGCGTG
CTCACTTTCCAGAGTTGTATTTAGGGTTGCAAGTAGGGGTGCCCTGTGAAAGAGGATAAA
ATTTGAATTTTAAATGCAAACAGAGAACGGATAAATAATGAAATAGTCTTATTTACTTTTG
GCAACCTTTTGAAGCGTCCCTTTTATATTTTGCACAGTTTGCACATAAACAGTTATTA
TTATTATTTTCGTGCGCGCCGCGCTGCTATACAACCGCGCTTTCCAACACCGTCGAGGCT
CTCGCTCGTATGCATCGTTTCAATTTTCGACGGGTAGGTTTTCGCAGACGGACGGAGCAAAG
ATTTGTGCATCGAAAATTGCAATTTTACATTTGGAGCCGTGTGTGCAGCATCACAGACA
>EP77992 (+) Dm BCDNA LD29847; range -499 to 100.

ATCTTACGTAAGGGCGTAATTACAGACGCTCGCGATCCATATTTATGTGCTCTTCAAA
TTAGCTGCGGGAATACTTAACCTAAGTTAGCCGAGCTTAACCTTTTTTGCAGCCAGTGCT
AAATGGCCAGCAGATGTGGATGTGGATGAGTCCGTA CTGGCTGCGCTGCTGACTAAGCC
TTGAGCCCATTTGCGCGGCCAAACCGCTTTTATTTTCCATATTTTATTCCATTTTGCC
GCTTTTACGAGAAGCAGCGTTGCCGAGAAGCCGGCGCACTTGACGCCGATTTCTCGGGT
TATAATTAGCCAGACTTATCAATATCAACGTAGAAAAGCAGATTTACATTGTGAACGGGT
TTCCGCGCACTTGCGTGCATCTATTGCAATTAGCACC GAATTACAAACTGGTTAACAG
CCGCTGCCAACGGAGTGGAGAAGCCTGCGGTGCGCCATTTGGGTTTATAAAATGGGTGCG
CACTTGGCTGAGATCAGCAGTTTGGGTACATCTCCAAGCGGTGAGCATGAAGTCGGTTG
TAAGTCAAGATCTCAGTTCTCTTGAAGATTATCCCTGAGTTTTCCATACAAGCTATTGTA

>EP77998 (+) Dm SCS-ALPHA; range -499 to 100.

TTTTAAACGTTGTGCGCCGAAGAGAACAGAAAACAGAAACGTAGTTGATATTCGTAGGC
GCATGTTGTGTACTCTGTGCTAGTTGCTAATGTGTAAGCCATCTGAGTATTTAGACGCTA
GAGGCAATGTATTTTACGTAGTCGATACAACACACTTGTCTGTCCTTTCTTTAAGATCT
CGAAATAAAGGTTCACTGGAGTAGATAAAGATTTATTTGAGATTTACATATTTTGTATAT
CTTATTGGTGGTTTAAACATTAATTTTCGACGTTTCTTATTTTTTTTTTTTTTAATTATCT
TTTTAAATATTTAGCTAATTACATTTTCATAGAACAGCTGTTTGAATGTAAGTGTCA
ACTTTCTAATCGATTTGTGGAATACCCGATTGTAACCTATCGCAGCTAAAATATCGATG
GTGTGTCGTAAGCCTTTGCAGTCGCTCTATCGATACTATCGCAGTGGTAACTCAGCACT
ATTCGGCCGATTTTCGCACTGCATTAATTAACGCGTTTTAATTGAGTAAAGCTGTTTTTA
TCGCACAACCACCACACAGATAATATGGCTGCTTCAATGAGGGCGCTGCTGAAAGTGC

>EP77999 (+) Dm UBA1; range -499 to 100.

TGACTTCCGACTAAATAGCGTTCTTGTGTGTCCATCCGTGTGCGTGTGTCCGATTCTG
CAGTGTGCGTGTGTGCGAAAGAGAGAGGGCGAGCGGTGCAGCCGCAACTGGGAAATTCGA
TTGCCAATATTTTCAGCAAGGAAGCTATGTCGAGCGGTGAGCAATTGATGGCCGATTCGCC
AGCCTGCAGCTCAAGTGACCATTCGCCGCTGGCCAAAAAAGGCGTTTAGAGTTGTTGGG
TGACGGAGTGGGGGCAATGGGAATGGAAGAGGAAGAAGCCGGCGGAGCAACGAGCAGCAG
TAGCAGCAACAACACTACGAAAAATCACGACAAAGCAGGCGGCTTGACATTTTCGGGCAAGTG
CCAGAGCAAGACGACTAGCGAGCACCAGCTGGAATTGTGCGTATCGTCGTCTACCTCTGA
CACATGCGGCGTTAATGCTGCGGCGAAGCGAGCCGAAAAGCAGAACTGAAAACAGAGCCA
AGGAAGCGGCGACGACGTTAGTACCTCGTCAGCAGTGGAAAAGGAAGGAAGCAAGCGGCC
GGAGAAGCGCAATTACCTGAACACCACCACAATAGAATCGCAAGAAGCCTCCTCCAGTGC

>EP78000 (+) Dm CYCB3; range -499 to 100.

TGAAGCAACAAAACTGAATTAATTTAATTAATTATGCCTATATATAATCATTAGTT
TTACAAGTACAAAGCAACGTATATATACATATATTTTGTTTAACATTTAAATAAACA
GTTGTGTGTAAAAGCAGGTGTTTTACTTTCTCTCTTGTGTTGATTGATGGGGATTTTTG
GGCACTGTTCAATTAATTAATAATATATTTAAACAAATTCCTTTCTGTCAGCTGCTCG
AGGCTACTTTGATGAGTTTCTTAGTTCCATAAATTTGCAATTGCATATTTAAGCAAAGTGC
CCCAATAGTTCAATTCACATGTTTTGAATTCAGACATTTAAATTAGCCGCGCTCTGGA
AGACTACCCCAATGCCTACCTTCACCACAGAGGTGATTCCAGTCGATTTCCGTTAGGC
GACCGAACGCCGCGGTACGGTCACACTGCAGGCCGCATCTGCATCTGGCATCTGGCGGTG
TTTTTTTGTATTTTACTCAGTGCTCTCTATCCCTCCGGCCAAGCGCCATAACTCCACAA
AACTCGATCCGGAATTATATTGTGAGTTTGTGTAATGTCTAGGCTTGATCGAGTCGACA

>EP78001 (+) Dm POLO_1; range -499 to 100.

GTGTTGTTTTTTTTTATCAAATATTTTTTAACCGTTATTTGAAAGTTTAACTGAAAAA
CATAGAAGGCTTTGAGATAGCTGTTTCTAATAATTTCTTTTTAACACAAATCAGGATCGA
AACCTGCAATTACAAGGTGGCAGTATTTTTACTCAGAAAACGTTTGCAGCAATTCAAATT
AGAAAAGGGGCTCTACAATATAAAGTTGACCGTTGACTGTTTAGTAACTCAATTTATGA
AACCCTTTTGAAATTTCAAAAATGTAACGTTAGTTTTTGTAGATTTTCAAATAAATAGCG
GTTAAACACAGTGTTGCGCAGAGCAATAGGAAAAAATATTGCGCTCAATTCGAACAGAGT
AAACGCCAGTAGGTAATTTCAAAAGGGTAACGGCCATAGAATTTGTTGTTCAACACTCAA
CAAAATACCGCGATACATACCAGAAAGTGTGCGATAGCCAGCGAAACGGGCACACCAATT
CAGCTGACGCTTCACGTCCAATTCATTTTGGCATTAAAAAATCGAACGGTTTCGGCGCG
TTCTCCGCTTTGTGCTTGGTTTTCTGTCATTTCGATGGGCAAAACCGAGATTTGATCGCCG

>EP78002 (+) Dm POLO_2; range -499 to 100.

CTTTGAGATAGCTGTTTCTAATAATTTCTTTTTAACACAAATCAGGATCGAAACCTGCAA
TTACAAGGTGGCAGTATTTTTACTCAGAAAACGTTTGCAGCAATTCAAATTAGAAAAGGG
GCTCTACAATATAAAGTTGACCGTTGACTGTTTAGTAACTCAATTTATGAAACCCTTTT
GAAATTTCAAAAATGTAACGTTAGTTTTTGTAGATTTTCAAATAAATAGCGGTTAAACAC
AGTGTTGCGCAGAGCAATAGGAAAAAATATTGCGCTCAATTCGAACAGAGTAAACGCCAG
TAGGTAAATTCAAAAGGGTAACGGCCATAGAATTTGTTGTTCAACACTCAACAAAATACC
GCGATACATACCAGAAAGTGTGCGATAGCCAGCGAAACGGGCACACCAATTCAGCTGACG
CTTCACGTCCAATTCATTTTGGCATTAAAAAATCGAACGGTTTCGGCGCGTTCTCCGCT
TTGTGCTTGGTTTTCTGTCATTTCGATGGGCAAAACCGAGATTTGATCGCCGCTTCTCTTG
TCAACCGTGTGGATCTGATCTCCGTTTCCGAGGCACTTTAGCCGATCGCCGGTGAATT

>EP78003 (+) Dm ACER; range -499 to 100.

ATATGGCATCCGATTGTTAGGGGTCCTTTTTTGATCGATTTTATAACGATTTTCATTGTA
TCGATTGCCAAAAATAAAGTTATATGCTCGTGCAGTAATTCGATTGTATCATTCTACACTT
AACCGTTTTTTATAATAATTAATAAATTTCAATTTATTTCTAGTTTGTAAAAACAAACTT
TGAAGCAAATAAAATCCCGTTATTTTTACGAATACCCTACACGATTACGACTAACGCCCTT
TACAATACAATATCAGCTGACCACATTTGAGTTTGTGTACAAAATACCGTTAGCGGTGC
ACTCAACAGCTGAGCGGCGCTCAAGCTAACCCGCCGATAATGCAGACAACAAAAAAGTA
TTAAGCAGGTAGATTGGCAGGCAGGTGTAAATTTTCGGAACACGCACACTCTTGATTG
TGATGAATGCGAAACGGCGTACGCTCTCGCAAACGCTCCTACGAGTAAAAACCGTTC
TCCGTGCGCAGCAAGCAGTCAGTATCTCCACAGCAGCAGAGGCGACGGGAAGACAAAGCAA

TCTGAATTGAATACGTCCTAGTTTTGGGTCCGTATAACAAAAAATTTATAGTGCAAAGT
>EP78004 (+) Dm BCDNA LD32788; range -499 to 100.

GTAAACAAATTATACGACTTAGATATTATAAGAGTTGGATTTAATTTGAATTACGCAATT
TCTCTTGTTTTTTACATAGGAATTTATTAGCAAATACTATGTATATCAAATATGAACCT
TAAAGATAAAATATATTTAAATATTAAGTCTTTTTACAAAAATTCGTTGTAAC
TAAACAATACACCTATCAACTACGAACATCAATGAAAAGAGAATAATAATATATTATTTA
AGTACTTTAAATGTAAAAAGACTTATGAGAGATTGAAAATGCTTATATAAATGAAAAACA
ACTTAATTAATTAATAAATAAATAATACTGCAAATAAACAGTAAGGGACCTAATATGAC
CGTACCACCTCCACCCACGCAACGCGTTCAAGTGTACCATCGCGAGCCGCTGGCGCAAAT
GGCGCGCGCAGTAGGACCGCTCGCCCGCACCGGCCACCTCTGTTTGTATAGCCAA
ATGCTGGTCGAGCGCAGCCAGAGAGTAATCACAACGTGTTGCGGAACGATTTCCGAG
TGCCCCGAGATCCGTGTCCGTGCTCCGATCCGATCCGATCTGTTCCGTTCCACTACGGGGA
>EP78005 (+) Dm U2AF50; range -499 to 100.

TTATCTTCATTTATTTGCACTTGCCGTACAAATTGGTTGACTTATTGAGGTAATAATAG
TTGACCGGTAAATATATCTTAATGCTCATAATATAATCGATTAACTGACAAAAACACCGG
TATTTCTTCTCTCAATCAAAACAAAACAAATACAGCATGCTTGAGAAGGTGGTATACAAT
TGAGTGTGACGTCAACGTTTGTGATTAAACAACTAGGGAGTACAGAATAGTTGCAGAAT
CGTATATGTGAGATGTCGCTTAAGCGTGTATTTTTATGTATGTATGTATATTATTATTAT
TATATTATTATGTATGATTATGTATAATAATTTATATAAATATTTTGAGTAATGGACAC
CCTACAAGTGAAATTTATGTCGATAAATCGTTCAACGACACTTCGAAACTGCCAGTGTGCG
CACTGTTAGCCCTCGGCTATCGGTGGTCCATTCCATTGTTTCTCAGTTTTACGTGTTCT
TTTTTAAGTCGTTTCTTTTATATTTGCGTTAATATACGCAATAGAGGGACACATTTTCT
TCGGCATTTTAAAGAGTTAAATTTGTTTTCGTGTTAAGAAATATTAATTTTATTTAGCAA
>EP78006 (+) Dm SOD; range -499 to 100.

AAATTGTGTATTAACAAAAAACAACAAATCAATGTAACTTTCTTGTTTCAATTTGTT
AATATTTACCTGCTTTAATTGAATTAGATAGATGAATGAATACTAGTTGATACTAGTCAA
CAGGAGCGCAATCAAGTCTGGGCATTTATTGGGGAATTCCTGGATTGTTTTTATTTAT
ACAAAAACAAAGTAAATGAATAGTTCGCCCACTGTCATTGGAATAAATGGAAGGCTTCC
AAGTGAACCACCGTTTCGTTGAACAGCTCAAAAAATCAACGCCATTTGTGCAGTAAAT
TGTTCCGTTTTCAAATTTGTAAATTTGTAGCTTTTATCCTTAAAAATGTAAATAAATGTC
CCAATAAAACATGAGCTTGAAATATTACAAAGAAAAAATGCTTCCAGTAACGGCATAATA
GTGTGAACGAACTTTTGCACAACCTGAACACTAACAGTAAAAGTTCCGCATGTATTTCTA
AGCTGCTCTGCTACGGTCACACCATAGAAGTACCTGGAAAGTTCTCAACTTTTTTTCGTT
TTGATAAATTTGATTAAATTCATTGCAATGTTGTTAAAGCTGTCTGCGTAATTAACGGCG
>EP78007 (+) Dm BM-40-SPARC; range -499 to 100.

TACAAACAAATATCGCTCTAATTTTAAACATACTCTACTCTACAAATACTCTTGAGACA
AAGTTAATTCGTAAGGTAAGTTAGTAACGGATCTCATCTAGGATAAATAGAGTTTTTAT
AAGTGCTCTTAAGTTTCTAAGTTATGTGTATCTTGTTATCGAATCTTTATTACGCTTTTC
TAAGCAAACAACCTATTTCTTTTCAAAAAAATAAACCCCGGAGCAACGCTGGAGT
GGCCTATTTCAAAGACCAAGGCTCAAGTTTCCATAAACTATGAGGTACGTAGAAGAGG
ACACGATTTATTTTATGTGTTGAAAAGCAAGAAACCAATAAAAAAGAGCTGCCAAAATCG
AAGCAATCAGTGTTTTTATTTCAAGCGAACATGTTGGGAGCCAACACGTTGGAGGCGACA
CCAAAACCATGGGCAGGCAGTGCTCCATGTCTCACTTTGGCGATCCGTAATCATTCCGAA
GCTTTTCCACAGGCAACAGTCGCTGCCATCCGCCAACGCGATTAGACATTTGAAGGGA
AACACTTTTTTATTGAACGCACAGTGAGTACTCACGCAGAGTGAAACAAAGGATTGAGTG
>EP78008 (+) Dm CG8309; range -499 to 100.

CCGTTATACAAATATAATATAAATTTGGCGAGCAATATAACTTAGTAGCAGCGGAGTTGC
CAGACTGTCGCCAAATTAACAATTTAACAATAATCGTGTCAATTTGCTTAACTGTAAAGT
GATAAATGTAAAAATAAATACTGCTGGATGGTAAATTTAAATTCAGGAGAAACGGGTTT
TAGAACGTTAGTAACGGTACGGCTAAGAAGTCACTTAGTGACTTATATGTTTCAGAAGAT
CCGGGAACACTACTTTTGCCACATTTATTGTTAGCTAGAGTCCCGTCAAAACATTTATA
AAATTGATTTTTATGTCAGCATTAAACACTTGCAAAGCCATAACTATTTTAATTTTATT
GAACTGAATGAATTTAGAGGAATATTATATATTTTAAGTGGCCACGTTAACGTCATCTT
AATTTAATTCGGTCAATTGTTTGAGAGCATCGCTATTAGCGGGAACGGACAGGCCGGC
AGCACTGGTCGCTCTCTTTCTTTTCGAGCTGTCAAAGCGCCGAAGACGTGTGTGCGTGTT
ATTTTCAGCTGAATTTGTTTAAAAAAGTGAATAACATTTAACAAAACCATGACTTCGCA
>EP78009 (+) Dm SRC64B; range -499 to 100.

AATATATTTAATAAATTTACATATGAAATACGATTACCCTCTTCATACAGAGTGGTCAAT
TTTTATTAGATATATAAACAATCAGACCTATGTAATATCAAAAAATTATCAAATATCACG
ACATATTTTTTGGAAAAATAGCAAGGATCAATTATAAGTTTATAAAGCAAAGTTTATTGG
CTAAGATCACGTTGAGAGTCTGAAGCTGGAAGTACAGAGTGTGTTGGAAAAACATTTAAG
TTTAAGCATTCGAATAAATAAATGATTTCATATTTCTATACAAATATAAATGATTCA
TTATAATTTAAGAAAAACAAAAACACAGAAGTAATAGGTTGTAGTCCGGGGTAAATAATG
TTAAGTCGATTAATCGATAGGAATCCATGCTAATATCGAACTTGGCCCATCGCCAGAGGG
TGCAATTCCTCTCTCTCTTTCAGAGCATCACCCATCTCGCTCTAAATCCACCGCAGTTT

CCCACGATTTTCCTTCTCACTCTAAATTACCGTTGAACGACTCGGACGCGATTTTCCA
GCGCGGGTGATTTTCTCCTCGGTGCGCGTTTTTCGGCGGCTTCTTATCGACAAACAATA
>EP78010 (+) Dm CADF; range -499 to 100.

CTTAATGTTCCGGTCTGCTTGTAGTCAAAATATATTTATCGTTAATAATATCGCTTTTAA
CATATTATATTAAGTGTAAATACAAATTCATCGCAATCGTTGTTACTAATTAATAAATA
CTAAGATCAATACTATAACAAGAATATCATTAGCTTTGGGATGAATTGATATTGAAG
TAATAAATTGTAGCTATAAGTGTAACTATGTATATATTTCTATGTTCCAAACAGCGA
ATGTGTTAAGATTCAAATCTGTAATCTTCAGCTTTATTACACGAAAGTATAGTGCAATT
TGTTAATATAAAATAAATAAATTAACCTCAAACTATACTATGTATTTTAAAGCACCTAAAA
TATTTTGACATTTTGAAAGATCGAAAGTGTGCCATTTACCGTTCCAAACGCTTCACAAAC
GTCGCGACGCGTCACGACGCATGTTGATACTTTGCCGGCGCCTGGCAACCCTAACCTGTG
CGAAATAACCGACCAAATTGATTCGTCCGTTGTTCTGTGAAAGAAGGCGGAAGGTTAAAC
AGTATTTGTAAATATATACTCGGCGAAGCAGCAATTTGAGAATTGTGAAAGCGAAAAAC
>EP78011 (+) Dm NOP5_1; range -499 to 100.

ATGCTGTGTGACCGCCGCCAGCCAAAAAATACCTCAAGTTGCACGGAATATACTAAAA
CATACTCCACATATATTCTGAATCTAACAGATACTAGAAAACAAATTTAAATTACGAATT
TATATCTATCTTTTAAACGGAAGCTAAATATAAAGGAAGTTAAAGGGGACTGGTTAAAA
AAATGTATTATAAAATTTTACATTAATAATGTAATTGTGCAGTACAATAATATCTTAAAG
GTGAAAAATGTAATAAGATGTGTGTATATGATTTGTATGTACTATACTAAAAAAGGTTTT
ATAGTCGCTTTCTTTAGGCGGATGGAATGTTTTGAAAGGAAAAATAATTTTGAGTATTT
TTTTCGTAGGAGTTGAAAAGGAAATATTTAGATTTTCATTTTTCGGCCCTGGAAGTTATT
GTTGCCAGACACTCCCGCTTTTGTGACCGTTACCCGCGGATTGAGCATAACTTTTGGT
ATATTTTGTAGCGAGTCCGCGATTTCTTTTAAATGGTCTGTCCACGGTCACTCTGTTTGCTA
CCCGGTAAATGAGTTTTGCGCTGCATTAATAGAAAATAAACACAAAAATTCGCATCTG
>EP78012 (+) Dm NOP5_2; range -499 to 100.

CGATATGAGAAGTATATAGCTTCTACAATTGTCTAACAAAATCATGCTTGACAACAGTAG
TTATCTATTTCAGATAGTAATAACAGAATTTGTTTTTAAGTCTATTATATAGACTATTAT
AAGTCTAATATATTGTAAAAATGTAAACACTTTTCGTGATTAATAAATATATAAAATATAT
ATATTTTATACTCTTGAGCACAAGAATTTGTCCGTAAATTGCACAAAAGCTTACAAATAG
TTACGTGACAATGATTTAGCGAAGTCCTCTAATATATTTAATATTGATATTAAAGTTTGA
TTGATTTGATTAGAAATAGACAAATTAATAAAGTGGTAAACAAAAGGGTAGCAGGCGGC
TGCAAGACACCTCCTACGCTATTTTCCCCGCGCTTTTACGTTCTGTGGTGAATTAATTAC
AGTGGTCTGTTATGCGCGAACCAAGTGGCAACGCCGTAGACCGAAGGCACACGTGCTTG
CACTTCTATTTTGATTTTTCTTTTACACGCGGCATACGGAAGAAGGTTAAGTTGCTGC
TGGCTGCCGAGAGTTTTCGGTGGTTTTAAATTGAATTAATAATTGAACTAAATGAGCAGAG
>EP78013 (+) Dm HLC; range -499 to 100.

TTATGAGATTTCTCTAATAAACTAGAAAAGAAGTTAAGGTGCTATACAATGTTAAGTTAA
AATATTTAATTGCTGATTTTTACACACGTTACTCGTAGAATAAAAGGGTATACTAGATTG
TGTAACAGGCAGAAGGAAGCATTTCCGACTATTTAAAGTATATATTTCTTGATCAGGAT
TAAGGATTAGGAGCCGAGTCGATCTAGCCAACTTTATAAAATTTTTCTAATTTTATTCC
CCAATTAGCTATTGATATCCAGAAAAATGATGAAATTTGCGGTTGCGATTACACTAGC
TGAGTAACGGGTATCTAATAGTCGGGGAACTCGACTATGGCATTCTCTTTTTTATTTAT
TTAATTTAATAAATGGAATATATTAATTTTTTTTAAAGGTATTTGCTTACCTTTAAAAAG
TAGATTTCAATAACTGTTTAAATCAACTATCGATAAGCCGATAAAGTCGCCGATAATTCA
ATGGACCGATGCCTCGCTCTTTTTCTTGTGGGCCAGAAAACGTGCGCTGCGCATTTTCC
AGCGTTTTTTTTTATACCGTCGCCCACCATGAGCCAGATGACCCAGAAAACGGTGCAATT
>EP78014 (+) Dm BCDNA RH28372 OR; range -499 to 100.

TTCGATCCGATGCGAACTCTAATTAGCCAAATTTGGGGCTTGAAAACGCAATATTTGCT
CGTTTTGTGGAAACTAAGATTTCCACACCTTTGCAGTGTGACCGAAGCTTTGTGGTTGCA
AAATACTGCAGGGATTTCATTTTTCGAAAATCAGACAAATATACTGCACGATGCGGTGG
GGAAAAAGTTATTTTTATATTAAATGTAATATGTATTTTAAATTAATTAATTAATAAAT
TTTGCAAGGGAATTTTCAGTAACTATTTTCATATTGTTTATTTACTGTATAGAATGAAAT
ATTTTAAATATAAATATATATTCAATTTATTTTATTTTAACTCTATATTATCCAT
AATAAGCTATTTTATTAACGTTATTTAAAATTAAGTGTGAGTTTCTTCCATTAACTTT
AGAAATGTATATTTGGTATTTTGGTATTTATCCGCCGATCGATAACTAGTGCTCCAGCC
CTGGCCCCAATGCATAACATCTCTGTTTCTGCGCACACTGAATAGGTAAGTTTTCCGCAC
ATTTCTGTTGATTTCTCTGTATAATTCCAACCTGCTTGCAAGCAAAATGAAAAGATGG
>EP78015 (+) Dm RHEA; range -499 to 100.

TTATGTTTATTTTCTAACGGGACGTAAACACTTTAAATTTTCAAAATAAATGTTTTTCCA
CCTCAACATCATAAAGTGATAACAAGATCTTTGAATTTGGTGGGCATTTGCGATATCGA
TATAAAATCTACCGAAATCGATAGCGATTGTATTGTCGCTGCGCTGAATATTTTATAGATC
ACTTGGTTCTTGTCTTAGAATGCATGGAAAACTTTTATCTTATAGAATTTTAAATTG
TGATCTAAGCTGAAGTTAATTGTTATAGGATGGCTGGTTTTATTTAAGTTCAACATTTAT
ATACGAAGGATGGCCTAAATAAATGTTCTAATCAATTTATATTATATTACCTTAATTGTT
AATGGTAGACAATACATAAAAAATAATTTGATTTTAAATTATACAATGCTTTTAGAACAT

CCAGTGCATACCAACCGCCTATCGGTGCCGGCTGTTATCGATATCATCAGTTTGCACCA
TCGTGCGCCACCACCAGTGTGTCAACATATAATTGCAAAGATGCGGCCACATTCTCT
GGCCATTTTGTGCTTCTGCGGTGGAATCCAGCTCCGAGGCGACCGGAATCTGAGTCC
>EP78016 (+) Dm PROS-54; range -499 to 100.
ACTCGTCACCTCGTAAGGAAATATTTTTGCTTGATTTTGCCTAGTACCATACAAAAGAGC
TTCAGGCTTATCCAAAATTGATAAAACAAATTATACAACCTTTATATAGAGATGGTTTT
AGAATTCAAGGCAGTTGACTAAAGCGTTGTATCTTCCTTGATCTTTTCCAGCGTCAACT
GGTGAATCATGAGCCTAATGATTGGTTTCAGTGTAATATTCTTGCGGAGATAATATAC
ATCATTTTGTGTTTCAACATTGTTGCTTATTAATATTCTGAATTAGTAAATAAAAT
AAACAACCTTTAAATGTGTACATAATCTAAATTACTTTTCCACAGGACTAACATTAAATA
ATGGACTGGTGTAGAAAAATGTAAAAGAATGTACATATGTAATATAATCAAACAAAAAT
ATCGCACACCGTCATACAAATCCGATATTTAATGCCGATAGTTCAGGCAGCACAGCAC
CTGGCAACCCCTGGGGAATTACAGTTCAGTGGCAAAGTGACAAGCAAAAATACGAAAATGG
TTCTGGAGAGTACTATGATATGGTAAATTATTGTTTTTGGAGCAATACGAAGAGCTCCG
>EP78017 (+) Dm MAP60; range -499 to 100.
GGCGTTGTGAGGTGGCGAAAAGTGAACGTATTTCAATAAAATTTAAATTTCTGTTGAGTT
CTCATCTGCAATATAAAATTGCGTTATTTGTTTGTCCCTATCGGCAGCAAGATAGACGGGT
AGTTTTTACCGTAAATTAGCGGTATTAAGAATTATCGATATGTAAGGATCCTTACATAAAA
TAAATAAATAAAGTATGAGAATAGAATAGAAAAAGACAAAAACAAACCATTCTTCGAT
AGTTATGACTACCAAAATGAATAACTTTTCTTATGGAGAAACATTATAATTGTTATATA
AGTAAAAATAATGCAAGTATTAATATTTATAGTGATAAATATAATATATAAAAAATTAAT
TTTCACTGCATCGAGAGCTGTGAAGTGTGAACATCTATGTTGCCAAAATCTCCCTCATCC
CTAAGTTACTGTACCAAAAGCGGCATTTCTAGTATTTGCGTGTGTCACGGTCACATTTT
CCGCCAATTTACCGACGCCAAATACAGAAGAAAAGAGAAGCGAACGGTGCAGAAAGCGGAG
AGAAAAACAAGCGGATCCTAGTTACATATACCAATTCGTGTGTCGCGTGTATCAAAACA
>EP78018 (+) Dm NRV1; range -499 to 100.
ACGTCACTGCAAGAAAATTGACCCTAGATACGTGGAATGCTTTTTTGGGTACGTTTC
GTATACCCAATAACATCTGAGAGTTTAAACAAAGACGTACGCCACATTGCGGATGAGTA
ATGTCCTGTAGGAATCGCTTGCAACAGAATTCTTTCTAAGATATCACTCACATGAGCTTG
AAATGGGAAACCAATGCGTTATTAGACTGCTTAATATCGGAAATAATAGAAATACCTACA
TATCTTGACGATCTTAAGAGTCAATTTGGTCAGAAAAGTCTTCTTTGCTTTTTACCTTAA
CTATTTATCTGAAAATGTACCCGTTTTCTCAGTGCTCAATCACTCTTATCTTGAAGCT
TTTGTTCGAGAACGCAAGAGATAGAGAGAACGAGAGAGAAAGAGCGAGCGCGTGGTGA
GCCTGTGTGAGTGTGAGGGCGAAGAACAACACTGGTGCTGAGTTTTCGCCTTGCTGGGTGA
CTTGGGGCTGCGTTTCGGTTAGTTGGTGATCTTTCGCCGAGAGCGCAACACGCAGCACGCA
TCGCCATTGCGAGTCGAGGAAGCAGGGAAACCAAGAGTTGGCAACAACCTTCTCGTGGCT
>EP78019 (+) Dm BCDNA RH72992; range -499 to 100.
GCAACTGCTAACTGAAGTAGAGATCAAAACGATTCTCACAGAAAAGCGGCTTTGCCCCAT
CTGATAAATCAATTAATTACCGCAATGAGCCGATTAGAATATAAGTAAACGATTTTCA
TTGCATATGCATATTTATTAATCATGGAAATAGATTCTTATTTAAAGGGGGCGCACCTTT
GAATATTGACTATAAATATTTGAATATTGACTATAAATATTTGGATAGTAGCTGCGAAAA
TATCAGGACACGTAGATACCGTAGTTTATGTTCTAAAAAAAATATTTGGAATCTTAAAA
CTATTTTTTCACTTATTTTGCCTTTCTAAGCAATTTTCTTAAATATTGTAAACCCCGAGT
GAGGTTCTGGTTATTGATAGTTCTGATGATGGGCCAGTCAAGTCTTGGATCGATGGCATA
GAGAGCCTATTGTATTTTCCATTGTTGATCTCCCACTGAGATGGCAGGTATAAAATGGG
CCACATCGCCGGGTGTTTCATCAGTTCCTCAGAGTCGTCGAGCGAGCAACATGAACGTAG
TAAATCTTTGTGATTTTGGGTCTGGTTCTCGTCAGCTTGATTGCCACCCAAGCAGCCG
>EP78020 (+) Dm ADE5; range -499 to 100.
AGTTCAAGCAACGAAGACGATAAAGAGGCTACCTACTGGAGAGATAGAGACAGAGACAAAG
ACAGAGATCAGGATCACAGGATGAGCATGTTAGGCAGGACGAGGTGGATGTCAGGAGTTG
GAGAATGGACAAAAATCAAGAAAAATTCAAAATTCAGAAAGTACCAAATGAATAGAAAA
TATTTTAGAAACAAAATTTGTAAATAAAATGCGACAATAAAATTTGTACGCATAAGCAA
AGCTTTATAGATTGCCAAAAATGTACATATGTATGTATGTACATAAGTACATAAGTTGC
CCCGCGCGGTGTTTCATCGGCCATTTGGGAACTGCAGGGTATTACCAATCAGCATTATAC
TCGACTCTAAGCCACACACACACCCACACGCAAGCACACACGCGAGCGCAAACACAT
GGATCTCTTTGCATTGGTGTGGGGTTCGCGGATAAGAAAATCGAGCCATAAAGTCGCGC
CGGCGATTCTATAGACGCTCAGTTGCTTTGGAGCGATTCTTTGATGCAGACGAACATCGG
AGTTTTCGCGATTGTAATAATAGAGCCAAGCGGAGAGAGCGAAAAAGACAGAGAGAGAGAT
>EP78021 (+) Dm FAX; range -499 to 100.
TATTGTAACAGTTATTGATAGAGTCGAAATAGGTAATACAGAAAAAGGTTCTATTGATAG
TAGTTTTAAAGGGTATCTGTTTCAGTCAACCAGCTAATATTACCGTCATAAATCTTTAA
ATGTGTACATAAATGGAGATGTTCTTAATTTTAAATAAATCTAGTCGCGAAACTCGAACT
TTACCTAAGGATCGAGAAAACATTTGTTCAATAATTGAGCGTAAGCATAATGGAATATTA
TTTAAAAAGTTACTTAATATCATTCTTTACTTGTGTTATAAATTAGTTGCTTATAATTTA
GGTTGACTCCACAATTTTAAAAATTTTACTCATATAAGTTTTTATAAAATCTATTCCCTTG

ATCTTAATTTCCAGTCACTGGAAGTGGGTTATTTTTAGTGCATCTGCACTCGGCCGATTG
CATTTCGAGAATACGTTTCGCACGCGCATCTGGCCACACTGCCTGCAACGCTAGCTCGCCT
TCGCAACGCGAATCCGCTCATTTCAAATTTTCAAACCTCCCGAGAGCGGTTGCGGCGGTGT
CGAGACAGCGGCTCCTGAATCCATCCGAATCCGAAAGCGAATCGCATCCAGCCAAGATAT
>EP78022 (+) Dm CAF1; range -499 to 100.

GATGGGGGATCTCGGATGAGTGTCTGGTACAACCATCAACCTGCATGTGCGCCAAATTAT
TGCTTGTTAAACTATTTAGCAAACCTCAATAGTTCAGCTCGTTACGTGCAAAAACATTTTG
CATAACAATTGAAAAAAGCGTTGAGGATGAATCACGGCTGCCACCGTCGTTGCGGT
TGGGGAACCTAACTGCAACTGGCACGTTAGGCTCGTCAAATAAGAATGGAAAGCCGGTCA
TTGGCGCGTAAACTGGTTTCGAATCATTTCGCACTGATAACGAATTAAGTAGTAAACTTTG
TTTATGCACTTTAGTGTGCCCGCAACTGCAACCGTTAAATATACCTTTTAAACCCCAA
ATATATCGATGTAAACCACAAAATACTAAAATCATGACGCAGGAACGTAACAAGTATAAA
AATACCGCGCAGTGTATCTCCATAACTCTGTTATCGTTATCGTAATCGAATATGGCAGT
CGTCTCGACAATCTTTAGCATTGCATCTCTATCATCGACGACGCGCTTGCAAAAAACGA
AGGAAATTAGCCAATTTCTATTTGCCCTGACGTTACGCCGTTTAAAGTGAAGTCCCG
>EP78023 (+) Dm BETA'-COP; range -499 to 100.

CTAGTTAGTGCCTCTAGGTAATTGATGTTTAAACACAACATTAAAGCGTCATTCTTATT
TTACAAAAAGAAAAACCGCAAGTAGAAGACGTGGACTAGTTGAGAAACCTATCGATAGGC
AACTTTGAAGGAGATGGCAATAACAGCTTGGATCAAAGTGCCGGCTATTTCGAAAAACACC
TGTACCATCACCAACAGTGTGACGCTTAGCAAGCCTAGCGGCCAAATAACTTAAATTT
AATATTAAAGGATTAATACTAAATATAAATATATTGAAAAACAATTGCAAATACATGTGC
ACTAAATGTGCACTGTACTAAAATATTAATGACGAACAGCTTTTAAAGTCAGGTACAGCT
GTTGATTTATTTAAAGATTAATTGAAAGCTAATTTTTATTAGGTTAAAAATAGCCATATC
CAAAGAGCTTGCGACTATCGATACGCCGATTAGCAGCGCCTGTACGTGGCAGGCGACAAC
CCTATGCCAGCTCTGACACATTAACGAAGCGAAGAAGAAGAGCAGCGGAGGCAGCAAAAG
AGTTTTTTTTGGTCTCGCCGAATTAATTAGTGTTCGCGAGACAGCCATAGTTGGCCCAA
>EP78024 (+) Dm KAP-ALPHA1; range -499 to 100.

CGTTCTTACAAGACCTTCAATGAACGATGCCGGTCTATTTTCATGCTGGCCAATAGGTG
GAACAAATGCAATGACTAGTTTTAGGTGGATTTATTAGCAGAAGTCTCATGGAACGCCA
AGCCAGAAGGCATTTACATGCACTCCGTTGTATTACAAGTTGTTTACAACAAGTACATAA
ATATAACAGTCTAAAAAGCACAACTTTATTCGTCGCGGGGCAGGTTGTATGTAGCGTAA
ACCGATCCGACGGGTACGCATTTTAGGTTGGCCAAGGCTTCCAGGACGCGCTGGGTGGCA
TCCTTTAGGTGCTTGTACTCGTCAGCAGTTCAATGATCTTCTTTTTCTGACCCTCTGAC
GTTTTCATTTGTCTTATTGGCGGTTTTCGCGGACTTTTTCTTATTTTCTTTCATGTTTAA
TTAAATGCAATTGGATTGGAATTACTGCTATCGGTTGATATCGCTATCGATAGCGCGTCA
GCTGTGTGCATTGCATTTTGACAGTCCGGCATCCCCGTTCTCACAACGTGTAAATCTC
CCGTCCCCTTGATGATTAAGACGAGAAAAAGGATTCTCCGGAACAGGTAAATTGTGTCT
>EP78025 (+) Dm RACGAP50C; range -499 to 100.

CGATGATCAGAACCTGGCACTTGGTCTGCAAGAACTCCAGGTTTTCCGACGAGGCCGCGA
AACCGTCCTTGCAAGGGACCTTCGCGTTCCAGGATGTTCCGCACTCATTGAAACGCT
TGCTCTGGAGGATTAAGCCAGGATTGGGTGAGTGGACAGACATTTTCAAACAAATCGA
GACTGTGATTCGTTTAGCAACACTACTCGGTCGGAATAAATATTAGTGATGGTAGCTTA
TGTGAATAAGAAATTTATATAAGACATATTGTAAATAAAAAAATATTGTAATTATATTA
TTATTAATATAATCATTTCAAAGTATTAATAGGATAACATTAAATTATTTTTATTTAA
TTCCGAAAGAATTGTTAACTTGAAACAATCTCTATCATCTCTAACACGATCAGATCGATA
TTTTCTGTTAGCATGACTACCCTACTGTTATTTTCGAGCCACCCATTAATGGTCACACTGC
GCAGATGGCGTCAATTTGAAAAACAACGGAACCTGAAAAAATTCAGCGCGTCTTTTGACG
GTGCTCCGTTTGCCACTCGTTTTGGGTAATACTACTGATTTTCAGTAGATTTTCGAAGT
>EP78026 (+) Dm BAP60; range -499 to 100.

AGTTTCATGGCGTTCAGCGCATCCAGCCTTTGTGGCTTCGACTCCAGAGCCTTTAACTTGG
TGACCCACCAATTGTCTTCCATTTCCATTTGTTTTCTGTGTTAAATGACAGTCGGTTTC
AAACCTATCGTTCCTTCGATTTTCAGAAGACGTTACTTGTCCGAACCTATTGGCGACTATCG
ATATTGCTTATGTTTATGGCTTGACACTGCAACTATCGAGCGTTTGGGCAACCAATGTT
TTCGATCGATAGTAGCAAGTGCTAGTATATTCCTTATCGTATTGTTTGTGTTTACAAAT
GTCTTGAAAGTTTTTAAGTATATTTCAAAGCCAATATATAGCTGTAACCTATTGAAA
TGAATAACTTCGATTAAAGTGCAAAATGATAGCCGCAGCCCTGCCAACGTTGTAATATC
TATCGCCAGTCGACCACCACAGTAATAGTGCATCCCTGTTTTGACGCCATTTTACAGG
CGAAATTGTGTGTGTTTGACGCGTTGTTGTATTGAAACAAAAAGGCAGAAATTTTCCCT
TCGTCTGCAAGGGCAATTGTTTACGGCTGGAAAAAAGGGAGGACTTCGTAGCAAAGATG
>EP78027 (+) Dm CATHD; range -499 to 100.

TGAACCATTTAAGCTCAAAATACAACCTACTATTTCATATTTTAAATATATAATTCCATGTT
ATCATGAATTTATTAGAATTTATATATAACAAGTAAAGATTCGAAATTCAGCTTCGACCCG
CTCCTTACGATTGTTATCTATATTATCAATTAATACATTAAGGTTGCTCATCATAATTGT
TAATTGTTTGCTCATAAAAGCGTTTAAAAATGAAAGATGGGAAATACTTTTTTAGCTTTC
CCTTATTGTCTCTAAAGTAAGATCGTAGTCATGATACAAGCTCTTCCTAAATGTGTAGAA

ATAATGATACATTTGTATTATATATACATAAACGCGAAATATTAAGAAACATTCCGA
AAATTAAGAATTGCATTAGTTTACAACAAAACTATCGAATCTCTCTAATCAAAACGAC
GCGCCAAGCCAAATTTAGTACATTATCTGTGCTGAATCATTTTCGCTGTGCCGAATATT
TAATTAAGTGCAGCGATCATTGCAGTTTTAGCCACCAGAGAAGCGTAACATAGAAATCAA
AATGCAGAAGGTTGCACTGCTTCTAGTCGCTTCTGGCTGCGGCCGTGGCCACCCAAA
>EP78028 (+) Dm GALE; range -499 to 100.

CGATTTGTGATTTTATACGCTTTATAATGAAAATTTTTTTTACCACCCCTATTTCGCGT
CTCCAGAATGTTTTACATTTAAACACCGATATGGGCGCACTTCTTGTTTTAAGTTGTTT
ATATCGATAGACAGCCAAGAAATTTATCGAGACGAATCCCACTGTGCCAGGTAGCTGAAA
AATCGGCGAATATGGCAGCGTCGAACGAGCCATGTGCGCTGGCAACGCTACCACTTTGTT
TACTTTTTATTTCGGAGAGCGAAGTGAAGAGCACCTGGAATTTGCATTAATGGGCATGGAAT
CGGGAGCCAAAGGTGAGCGGCGATAAGGATGCACTTCGAGGTGACCCCGGCCGTCCGTGCG
ACCAAGTCAGCTGCTGCTAGCACTTGAATTAAAGTGACAGGAGAGCTCCGAGCCACCA
AACCACCGAACTGATAAGAAGTGCGCGTTTCGGAGAACGGAGAACAAGTTAAATAGGCTC
CGTGGAGAGCCACCAAGTTCAAGTTGGCCAGCGACCGCAGATCAAAACAGACGTACGACAAC
ACAGATGAATGAGGAAGAGTGCAAGAAACGGGTTAGCACACGATAGCACTCAACGGTCAG
>EP78029 (+) Dm AAY; range -499 to 100.

GCAATTCTCTCAATTGAAAATGATTAAATGAAAATTGAGCGTAATTCGCGGATAAAAA
TATAAGCCATAGAAGTTAGGGTATTCTGGAAGTCTTCTTGAAGTACCGAAAAACGAAAA
CGGTTTGGAGTTTGTAAACAAAAACGCAATTTCTCTCCCACTCGCACACTTGTAATGCTTAT
CGTTTCGATCGCTACACTGAAAAGAAAGCAACTGCGTTTACATTTTGTAAAGATAAATTAC
AATTATTGATATTTGATTTGATAATGTATTTAAATGTAAATTTTAACTAGTTTCTTG
TGGCTTAAATTGTTATGCAATCAGCTAGTTGGACAAAAATAGTTTCGTCTGGACATAAA
TTTTTCTTCCGTGTGGTCGTAATCATTTTTTCTGTTCCGTGTGGTCAGTGTAAAAGAG
AGAACGACAAAAAGAGAGAAACCGCTTTTTGTGTGCGTTGAGCGGGTTTTCTTAAAGGGC
GATCGACTGTTTTTGAGTCACTTGTGAAAAATCAGTCATCGCGAGCAGTTCGACTAAGGA
AAACCCGCTGGCACACACAAACCGTAACCACTTATCAAAACAAAAACAGCTGGCCCGCAAC
>EP78030 (+) Dm SEP2; range -499 to 100.

CTTGGGATTAGCGTCCTTTGACATCCTGTTTGCTCAGCACGTTAGTGGGTGGTAATATAT
ATTTTATTCAGTCACTTAACTTTTCGACTTTCCGTTTACATGCAAGTTTTTACAGCTGT
AGACACATCAGCAATGCGGACCTGCCAGATCGCTTCTGTGTGCAACCAGAGATGCCAGAT
GGCGAAACAGTTAAGACATTTAATTTTTTAACTATTTACATTTAATTAATAACTTATG
CATAAATATCTATGAATGGGCACTTTTATTATTAGTTATTAAAAACTGAAACGCTAAATG
ATGTGTACTAAAAATCTTAATCCATGAAGTGCAATTTCACTGTTTGATTATCAATTTCTGTT
CACTATTTGCCATTATGGCACATGTAATTCATTAAATAATTGTTTTTTAATTCTTTGTTA
AGTTATAATTTTCTTGTTCTATATCCACACACTTCTTTGAGCCGCTGGTATTTTGGG
CTCCGCGTATCTGGCCACACTTGCAATTCGCTGGCGACGCTTTGATCCAACTCTGCG
CCCGGATTATTGGATTATTTGACTTGACTATTGGAATGTCCGTTGAGGTGGATTTCTG
>EP78031 (+) Dm BAD1; range -499 to 100.

AGGATATTGACATCAATTTTAGGTGAAGATATTGAACTTTTTAAACATAAATAATTTGTAA
ATACAATTGAAAATTAATTTTGTATAACATTATTATAAATAACAAAGTTAGCCTGTTGC
TTTTACGATCCGTTACTTTTTCAGATGTAATATAGCCATCTCACTCTAATTCGCTATATTG
CTCTCTGGTGAGAGCGTCGACTTCGTTTTTCATTGAGATTTCAAGTTTACTTCATTGGCTG
TCCTTTATTTTATATCTGGAATACTTCTGCATGATTTTCTAATCTGAGCTCTTTTAC
GAGTAGGATATGTTGACCTTGATCAACACCAATTTCCAAAAAAGGAATTTAATGCACC
CACTTATTTAAAAATGTTTCGATAATAACACAAAAACATCAGTTTGCAGATAAAATCGCAAA
AACTAATCGATTATCAAAATACTAAACAGAAAAAATACCAGCGCTTCGACAAGTCACTC
CCCTGTAAACGGTCGCACTAATTGCAGATAGAAGAGAAAAAGCTAACAAATCTTTGTGCC
GAAAAACAATATTTGAAAGGTAATTAAGCAAGCTGCGTTGGCAGAAAGTCTCCCCAAG
>EP78032 (+) Dm DUP; range -499 to 100.

TATAGCATGGACCCAAACCGAGCGGAGCACTAACAACCTCGTAACGTAAGCGCAGCACGTA
ACATTTCCGCTATCTCACTCGCACGTTCACTACATAGTGCGGACTCACTTGACCTAGT
AGTATTGATCCGCTTGGAATTTTGTCTGCGCGTTTGTCTTCTCAAAGGCTCAAAAAAT
GCAGCTACCACCGACTTACCTGGCTTCGCAAGTGAACGCGAACTAAGCCAATAGCATCTC
GATTGCGCGGCTTGCGCAGCGTTTCGAAATGCAGCTGAAACGAGCAAAAAACACGCGCA
CAACGAAAAATCCGCAAGTGAAAAAACTGCTACGGAATACTCACTCTGCCAGCAAAACA
GTGTTGCAATCGATGGAGTTAAACAGCTGAGTGGTTAGTGTGACTGACAGCCGAGTAC
GGCAACTTACAACACTGTAGGCGTTTTGGCGCGATTTTAGGTTTTGGAGGGAACTGCAT
CTAGTGAAAAATCGTGGCCAGTTGTAATTCGAGCAGTGCGCTGGCACGACGTGGTGATAA
AAAAGGAAAACTAATAGAATTATACTGACTAGTGATAATTAACCGGACGTGCCATCTGT
>EP78033 (+) Dm VHA36; range -499 to 100.

GCTCCGCCAGTTGTTTAAACACCACTTGACCACTTGTCTCATCGTTACCTTCACAT
CGAGAGAGACATTGAGTTCTTGACATGGCCGCAACCAAGTTGGGCGATAAACACATCCC
CGCTGGTATACTGATGCACATCCGCGGGCTGGATGCGCAGGAAAAACATCGGACTTCAGT
TGATCCTGGCAAGGGGTTTACATAATGCAGGATCTCTGATGGACCATCCGATGCTCA

CGGCCATGGCTGGTTTGATGTGGGCTCGCGACTTGTTTCGCGTATTGGCGTAGATGGTTGT
TTAAATGTGTCAACCACACGGTTGCGAAGCATTATAAATCCAATAAAGAAATGGAATT
TATTAGATTTGTTTACTTTTAAATGCAAAATCAGCTGTGGCTGCGTATTTTGCACTACTG
TATCTAAGCGCACTACCCAGCACCAACTGGTTATCGATTGGCTACGGGCAGTAGCCAACA
CTGTCATCCGTCATTTTCCAGTTGGAGTTTTTCAGTGTCTGCGACGGTTGCAGTTTTCT
TGATACGCAGTTGAAAATTGTTTAGTCCAGCCAATTACCATCCGAAAAAACAGCAAAAT
>EP78034 (+) Dm HIS2AV; range -499 to 100.

GGCATCTTGACAGCTTGCTCTTGGCCTTCTTGGCCGACACCACCTTCTTGGCCGGAGCG
GCGGCTTTTCGGCTTGGCTACACGCGGCATTCTCTGGGCAAGATCGTCGTTAAATAGCGGC
CAAGTATAATATTTCGCAAATTCGCTCGAAATGCCGGGCCATCAGGGTTGCCAATCGGCG
CGGGGAGTAGCGTCCTTCAGGGTTGTCAAGTGAGTGACAGCTTAAAAAAAATATAACCC
AGTAGGACTACTTGTAAAAACGACGTATTTCCAGGGCTGTTGCCGAGTCATTGAAACATA
AAAATAAAAAAGGATGATTATGATTTCAAGGATATATTACGATAGACAGCTCTGCAAAAC
GGCGCCACTTGGCAATGTGCGGCCACAAAAGGAAGCTACCATCTAGGGGTGAGGGCATAT
CGATTGGCCACACATCGATATATTCCGTTCACCCCTGGCGTCCGCTGACGGCGTCTTTT
CCCCGAAAAAATTTCAAGTAGTCGAAACCGAATTCCGTAGAAAACAACCTGCACGCTCCGG
TTTCGTGTTGCAACAAAATAGGCATTTCCATCGCGGCAGTTAGAATCACCGAGTGCCCAAG
>EP78035 (+) Dm EG 63B12; range -499 to 100.

TAAACCATTTTTGGTATATCATAGACAATTTGAAAACTTAACTGAGATCTCAGTTCGTG
CGAAGTAGTAGAAGTAGTATATTTTGTAAATGTATTATATATTTTCTTAACCAGAAACA
TGGTTTCCATTAATAATTAACGGACATTTAAAGCTAGTGCTGTAAAGCTCGATTTTGCA
TAGCCGGTGTGCGCCGGCGGTGTTGGTAAAGGCGATGCTTGGACTCATTACTTACAGTGA
AAGAGTATGTCTGTTTATGTATGTAAATATATGCCTAATACAACCTATTAAATAATTGCT
TTGCACAATCTTGAAATGTTAAATCTACACTGGTGAAAAGTGAGTAGTGCAGTGTACTT
GCTAAGGCTAGACACAACAATTTCTAGATGGAGTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGGC
AGGGTATCCACGGGCTACCTCTACCTTGCCCCAAGGCGTATTAACACTGTGTTTCCGC
AGTGGCGCTGGTCACACTACCCGAACCTCACACAAAGCCACGGTAAACATTTGTGCGAGAA
CCGAACACGTGAGCTACGGGGATTGATTGTTAAACAACGTTTCTATCGCCCCGAAATCC
>EP78036 (+) Dm YIP2; range -499 to 100.

GAAAAAATAGTACATACAAATATGAATGATATCGGTATCATAGCAGTACAATTTTTTTT
AATTTTTTGGCAAGTACGGATTGTTTATTTGGAACTATAACAATCTTATTGTCTTCTTA
TTAGGAAAACCAATACAAATGCAAGTTAAATTAATAAAAACTTTCTAATGAAGACCAA
CTTTAAACATTGTATGATCAACATTTTGTAAAGGAGTACTTAAGTATGCAAAATTGCTTT
GATAAATATACATTAAGAACGCAATTAAGAGACTTGATTATAAACTAGAGGATTGATT
GAGTTTCATCAAAAATCGAAATTCAGCGATGGTGAATACTCGTCACTAAGAACAAAGGAA
GGAACAACTGCAGCTAATTTTGACAGTGTATTCTACAGCTGTAATCGGTGGGCTTGTC
TCACTTTGTTTGTGAGAGAGCGGGTAAAGCTTTTCGAGCTTTTATCCAATAATATGTCG
GCGATGGCGGCAATCGCGACCAGAAGTCGAAAGTTATTGCAGTGCAGTAGTCGCCTTA
CTTGCAATTAATTTATTTGTTGTTTATTTAAGAGTGAACCCACCTTAGAAAATGTCTGCC
>EP78037 (+) Dm P28/SF2; range -499 to 100.

TTCGTCTTGATGATCGCTGCTGCTCCGTGCAGATGCGACACAGGTCGTAGTAGTTAATGCAG
CGAACGTTGCTTCCGGCCGACGCCATTTTTCCGGTGGCTCAGTGGTTTTCGAAATGCTAT
TTATGTTTAGTGATTGCACATGCAATATTTGTTGTCTTTTCTTCGACTGAACGACGCT
TAGTGGTGACACTGCGCGAATACATTGCAGCTCGGCGTGATTGGCAATAACTATCGGTAA
ATTATAATATAAATGAAAGGAACGACATTATGTTTACCCTGCCTTATAACCTTTAACCGA
GGAAATTCACAAACTTCTTAATTTATTTTATTCTAATAACTTATTCTATTCTAATTTCCA
ACTAAGCGAAGTAAGTACTTACAGGGTAGCTATCGATATAAGCAACGAAACTTCACCTA
TAGTTTCGTATCAACGTTATAATTATCGATAACTACTGTGCACCCAAGGGATTATCCCAA
CTCGAACTAACGGTCATACGCTGCGGCCATTTGTCTATTGTGAGCGTGACAAAAATAAGT
TCTCTGAAAATCGAAATAGATCGAAGCGTCTGATTAAACTGGAGAAAATGGGATCACGC
>EP78038 (+) Dm FAF; range -499 to 100.

ACGAAGACCCGGCGTTGGCCGTTGAACTGAAAGTCCGTGGGCTCTGCGTTCTGGTGACA
TACTCAGACTTTGTCTCCAGATCCGCGAAGTCGGAGAGCACGGTTTTTTTAGACGTGGAA
ATAACATGCATTTTGATTTATTTCTTCAGATATTTACACAATTCAAATTTGAGTGCTTTT
GTTGCGACTGATTTAAGAATGTGCCGCTGCTTTATTACCTGAAAATTCAAAGCTCGTC
CGTCGATTTTCCAAGTGATGTTAGACAAATATGCTGATTCCACTACACATTGTCCTTATC
TAACACCTTTGAATTATATATCAATATTGCTTTTAATCTTTTTCTGTGTTTTACCACGCC
AGGCATAGAGATCAATAAATAATAAAAAATAATTTTTTAAAAAGCGAACACAAATTGTTT
GTTTGCCGCTGGATTTTCGAGTGAGAACGCGTCGGCCTGCGCGGTCACTAGTCATTCA
CAACCAAAATTCATCGGATCATTGGCAGAAAAGGCAAGAAGAAGAGCAAGCAATCACCTGCG
AAAAAGAAATAAATTGCCGAGAAATGTTAAAGACGTTGTAGTGCGGCAATTTGGCGTGCG
>EP78039 (+) Dm CHD64; range -499 to 100.

ATGCTGCTGCAAGAACCTCTCGATAAGGGGGAACATAGGAAGTTTTCAATGGAACTTTAC
TCTGGCGAATCTTATCGGATAGTTTGTACACAACCGCAAAAAGTAGCACTAATAGTGGTT
GACTTCTATTAAGTAAGCAACAGGTGGATCATGGAAATCATACTGATTGAGATTCAT

TATCTTTTCAAACCTATTGAAAACAAAAGTTACTGGTTTAGAAGGCAATGAACCAGAA
ATTTTAAATTTATACCTATATAGTGTAATAATTGTTTCCAGTGCTCGATAGTTCCATGTTT
TATTATTTGAAAAACAACCTGCCGTTAACAAAGCGGTATGACATCATCAATGCCATCATAA
CAAATCAGCTGCCGCTGATAAGCGCAGCTTGGAGCTTTTATGTTGTACCCAACCTACTAG
GTACAAGACTGAGTGTGCTTTACAACACTAACTGTTGGCGAGCTTCTCTGTTTCGCA
GCTCGGACCGCTTTTATAACGTAGTAAGTTTTCGTTGCGAACGGACGTAGCCCAACCAA
CTTGGCCTTAACCTTGCCTCCCTCCGATTTATTCCGCGGCAACACATTCCAGTGGAC
>EP78040 (+) Dm AATS-ASP; range -499 to 100.

TGACTGCTATCGGAACGCAGCTGTAATTATCGATGGTGGTGAATAATTTTTTAGAAA
GTGGTACATTTACAGACTACATTAAACTCGGCTTAAACATTATTGCGTTTAAATTTTATT
TGACACGTACCACACTATGGCGCATTTTCTGTAAATTATATACTATCGTTTATATATGTT
TAAACATACAGAGTATTGTAATTAACTAAGAATGCTTCACCAGATGTTGAGAAATGCT
ACAGATGCTTTTGTTTTTTAAGCTTCTCAACTACGGCACTTCTGTAGATTTTCTTATGCT
CATTATTTTGGAGATTATTCTGCACTTACTAATCTTATACTATACTACTCCTTATTT
ACTAATATTATTTTTCAGCACTAGCTAAGCGCAACTTAATTCATAGGATGCTGGACATGT
GACGTACAAAAATCAGAAATCGCCACCCTGAAGCACACATGGAACAATCGATATATATC
GATAGCCGCGATAGAAATCTCTAGACTGCACCGCGCTGGTGGCATGTGCAATAGTACAC
GACGCTCGTGAAATCAATTCGTTTGTGTATTAAAGGGCAAGATCTAGCTGGTAAGTCGA
>EP78041 (+) Dm BCDNA LD16071; range -499 to 100.

TTTTTATGAGCGCATTTCTATCGGAAAAAGCTCTGTTAGATTTTAGCTCTGAATTTAGC
GGCGATAAGAAAAAGCGTTGCTGCAGTGGTAGAGATTTCCAAAAAGTACCTAGGTATCAA
ATTGAATAGTAGGTTTGGAGTCTATTGATAAAAAATTATTAATTTTCATTTAAACAAGT
TAAAGACGAACCATACATAATATGAGAACTAGTTGAATAACATCGATATACTAAATCAC
TTAGCAATAATGTGTAGTAAACTTAATAATATAACGATTTTAAAGGAATTTAGAGATTA
TCTGCAAGATGTGCTTAATGTGGCTCAGTTGGAACAAGGTGTTAGCTCAATGGAATCTAG
TGGAATGTGCAATTGAAAGCGGTTACCGAAGTTCCGCTCCTTATCAAAGTTCTCTTGC
TGTGCTGACTTTTGTGGCATATTTAGGGCTTGTGTTGGCGAATCGGAGGTTATAAGAGC
GCTCCGCCACGGTCACACTGACTAACAGAAAGCTGTTGCACTTGAACGGACGCGTATTTT
GTTGGAATATAAATTGGTGATAATTTAAAGTCGAAGTAATGATGCTCTCTAACTAGAC
>EP78042 (+) Dm PCAF; range -499 to 100.

TTAAATCCATTCTATTTGCTTAGTCTGCGATTTCAAAGGGGATTTCTTTATTGCAGTGC
ATTTTGCATTAGCGCAAAAAAAGAGTTGTGAGCATGGGCGTAGACTTCGTATTTT
CTTACAAATAATTAATTAATAATTTTGTGAGCAATTTTACACAATTGTATTATA
AGTTAAACCAGGGTCACATTAATTTGAGAACCGCGCAATATTTTCTTTTAAACCCCT
TACAAATTTTCAAGTTGTTTGTACTACGCCCTGCTAATTTTACTTATTAATTCAAAGT
CTAAAAACATTGTCACCAGATAATACGAGTATACACTATATGGACAAACGTAAATCGTT
AATAGAATATATATATTCAACCATTATTTACCACCGAGAGAAATTCATTTGCACAAAC
GCCAGGTTGGCAGCACCATTGCGCACAGCAAGTGGGCAAACTCGTTGTATCGCTTGT
GAAATTTAAGGAAAAGTACACTTTGTTCAAACTAACGAAGAGAATCGCAATATCTGCCG
ATCTTGGAATGTCTGGTGGTCCATCCATAACGATAAAAAGCCAACCAATCGATGGTAACA
>EP78043 (+) Dm ALPHA-CAT; range -499 to 100.

CGACGTTTCATACGGACGGACAGACGGACAGACGACCAGATCGTGTCGACTACTGATCCCGAT
CAATTGTTCCAATGCTTCCATCAGCCTATTAGGAACTTTTAAACGATTCTGGTATACCTT
ATTACTCTACAAGTAACCGGTATAATAATAACATAGAAAAACAACATCCTGATATGTGT
GGAATATGTTAATTCATTAATGAAATATTTTGTGGTAAAAATTAATAATATTATTA
ACTTTTCTCAATCGTCTTCAATCTTGAATATCACATATTTTTCACGAGAGTTCAATCAT
CAAAAATCAATTTTAATTTTCTTAAAGTCATTACTAAAGAATGACTCACAGGACTCA
AAACTACAAAATTTAATTTATTTTACATATATTTGGTTACGTTACGTAGGTGATGTGG
CTCAGTGGGACTATGATATATTTAAAGCCCGCATTCTTTACAGCACTGCAAGTTACAAT
CCTGGTACTATTAATAATCAGTGGACTACATATTATCGAAAAAGGCGTGTGCGTTAAAG
AATTTATGTTAAACCTGATAAAATGGGCACGTTAACCGATTTTCGGACAGATAGCTTTGA
>EP78044 (+) Dm PROS26_1; range -499 to 100.

TAATGAGCAAAGGACTCCTGATCCTTGGATTCTCCCGATTTCATCAGCATCTGACCATTTA
TCCACATAATATTTGTATGTTTGTACACGAAGGGGATTTGCCGGCGTTGATAGAGCAAG
AAGTCCAGGATGCCATTACGAACTCCGCTGTTGTCCCACTGGTCAGAACCTCAATGTTA
TCCAGTTTAAGATCAACATTTCTGACATTTTGTATCCATTAAGGTCGCAATATAACAAA
TTTAAACAAATGCTCTTTTCGCACTAATTGCAAACGTTGCCAGACTGAAACATTCAGTTT
GTTTACAGTAATCGATAAGTATATAAAACAGTGACTTTTAAATTTGCTTTTTTCAAGTC
TTGAATTCATTTATATTTTGGTTGTTAATCATTACTATTGTTTTAATCCGATTGCTTAAG
CATTTCTTGCTATTTTAAATTTTACGTTTTTTTAAATATTTGTTTACCCTTAGAGTTG
CCAGACCTTCATGTTTCCATAGTACGGCAACACAGCTAACGCGAATGACTAGTAATTTG
TTGCCGACAATAAGAGTAAAAAGTTTATCAAACGTTTCGGCAAAGCAGCAAGCACCAAGA
>EP78045 (+) Dm PROS26_2; range -499 to 100.

TTGTATGTTTTGTACACGAAGGGGATTTGCCGGCGTTGATAGAGCAAGAAGTCCAGGATG
CCATTCACGAACTCCGCTGTTGTCCCACTGGTCAGAACCCTCAATGTTATCCAGTTAAGA

TCAACATTCTTGACATTTTGTATCCATTAAGGTCGCAATATAACAAATTTAAACAAATG
CTCTTTTCGACTAATTGCAACGTTGCCAGACTGAAACATTCAGTTTGTACAGTAAT
CGATAAGTATATAAAACAGTGACTTTTAAATTTGCTTTTTCAAGTCTTGAATTCATTT
ATATTTTGGTTGTTAATCATTACTATTGTTTAAATCCGATTGCTTAAGCATTCTTGCCCT
ATTTTAATTTTACGTTTTTTTAAATATTTGTTACCCCTAGAGTTGCCAGACCTTCAT
GTTTCCATAGTACGGCAACACAGCTAACGCGAATGACTAGTAATTTTGTGCGACAATA
AAGAGTAAAAAGTTCATCAACGTTTCGGCAAAGCAGCAAGCACCAAGACAAAATGGTAAA
ATAGCACCTTCAGAACCCCTGAACTCATTACGATCGGGAACAATACATTTGCAGGGAC
>EP78046 (+) Dm CG8871; range -499 to 100.

TATCCTTATCAGGACAAAAAGCAGACATACATTTTATGTAAAAGTTAACAAACAACCTTA
TTGAAAATCATTCTGTCCAAAGATCATTGTAAATTTTAAAGTTCTGAAAAATGATGATAA
GATAGAATGGTCTGCGCAAAGGTTGACAAATATATATTTTATAATTATGAATAAACTAC
AAACATATTTGATTAGCCACAAAATATTATTCATTTAGATAGATAATAATTTGGCTGTT
TATTGCTGCATACTTAATATATGGTAAATAATAAAATAATATAATATATAAATATATA
TAGTCTAGTGGGGGGGCTAGTCCCCCTAGAGTTTCTTTGATTTCTACTACTGGCTTG
GTAGAGTGGTTCCTCCATTCTTATCGATGACATCGTTTATGGGAGTCTTGAGGATTATTT
ACGAGCCCTTTTCGAGTTTCGAGATATGGTTTATAGTGAAAATGTGTATAAAAGGCTGCCA
TCCGAGAGTAGAATCCAGTATAAACATCAGCATGAAGGTGTTCTAGCTATCCTGGCTCT
GGCCGTGGCTTCGGCTCCGCTTCGACGAGAAGGTCTTCGTAAAGGACCTGCCAAGGC
>EP78048 (+) Dm CG7338; range -499 to 100.

ATACGCTACGCAATTAAGTTAATTATTACTAATTACGCCTGTGTAAGCCCAATCAGAAAC
CCATTCCAAACCAATTTGAACAGCGCGCCAGGCAAAGGTGTTGCGAATAATCAAAGGC
AGTTGAACAACCTGAACATATACTATACTAGCTACTACAGCAAAAGATAAAGAATCCGA
TGCATGCATATATCACGGAATGAATGTAACTAGCTACTAAAAAGCGTTATATTCAAGCA
GACGTCAAGTCTATACCATAAACAGCAAAATACATATTTACATTGAATGTGGTTTAAAAAA
CAAGGCGGCAATTTGTTTCATTTTGGGAAGTGCCCTACAGTACAATAGCATATTTTGAA
ATTTGCGCCCAATACAACAGTTGTTAGCAGCTGCTAACTCACATACTCACCCTGCTGTT
AAGCGCTACAGGCGATGTTTTGCAAAACATCGCCCAACATCGATATCAAGAGAAACGTCG
AGCTATCGAGAAAAATATTGAATCGACAGAACATGTGCTCTAGCTCCAGCCTCGGGAAAC
AAAACAGCGTAAATTGATAGGAATTTGATAGTTAATTACCTGGTAACTATGGCTGATCAT
>EP78049 (+) Dm TMS1; range -499 to 100.

CTATTTTCGACTCTATCAATAACTGTTACAATAGTTAAGTTAATTCAAAATATAATATTAG
TTTATGATTTAATTCACAAAAATTTGATCTGAACCTTTCTCTCATTACGCTTTTCAATAAT
GTTTTATGTTTTATTATAACGTTTGTAGTTTATTTTAGGAGACAAACTATTTTGTTTTG
AGAAACTGCAAAGCGCCATCTGGGAGGGAGTGGCAGAAGTTTTGAAATTTGAATAGGGAA
CGGATGGCACCTCCCGACTTTTGCAAAATCAGCATGGCAACTGTGGAAGTACAGAAAAAT
TGCAGTAATTTACTTCAATTTTAAACTATAAATTTTAAATTTGAAACATATTGAAAAA
TTTAAGACATTGAAAGAGCATTTTAAATGCAAATATGCGAAAGAATTGATCCCATTTA
CTTTTAAATTTACAACCTGCTTACGATTGCTGAAAAATATCGCCAGCCGCTGTATTGATA
GTCATATAGGCAGTAAATAGTCCATCTCTATCATTTTACAAAACAAAGATTTGTTTAAT
TTAATAAAAACGCAGTTTGACTAAAGTAAAAATCTAAGTTTATTGCTGCAACAATGGGAG
>EP78050 (+) Dm FKBP59; range -499 to 100.

GTGTTGTTGTTGTAGCCGCCAACACAATGAAATGAACAACAGACATCCTTTAATATCATT
AATTGCGGCCGAAATGGATTAATCAAGAAAATGACTTGTAATTGTACCAAATAGACAATG
AACGGTATATGCATTTTAGCTAATATTATTCATAGTGCCGAACCTAATATATAACAAAT
TATTCCTATTAGCTTGTCGTCATTTTGAACATATGCGAACTAAATAAGTTTGTATTT
CTAATAGCATTTCTCAAGTTTTATCGTTAATTAGCTCAAGAAATTTCAATATTCTAGCT
AATAAACCATTTTAAATAGGTATGTGATACGGTTCGAGTCCGAGCTAGTTATCTGTGTTTT
GTACCCACTGCCTTAACCTGCTTAATACTATAGATGGCGCTTTAGTTAGCACTGACTGTT
AACTCAGTTCTGTTAAGCGACTGAAAAACGCACGAGCCCAATAATCAATACGGTCTTTCC
AACGTGCTTGAGCTTGGTCACTCTGCCATCATCGTGCGAATTAAGTTTCAGCAGCCAAAA
ATGCCGGAAGGGAATAAAATCGACTTGTCGGGGACGGTGGCGTCTAAAGGAGATCCTG
>EP78051 (+) Dm L(3)02640; range -499 to 100.

CCCAAGCGCTCCCGAACCGCTGCATTCGGTTGCCAGCGTCCGCGTGGGACGGCTGATG
AACTGGACCGTTACGCCCTTATTATTTTGCATTTCTTCAGTACTTATTATTCCTCACCA
GAAACATTTCCAATTGATAGTCCTTCCCTTTGTTTTGCTTCCAAACAGCTGAGAACGAT
AGGCTCATGGCGCGAGCTCTTTGCCTATCGACTACAGAGTTGTGAGGGCTTCATAATTT
ACCAAATATTTGTTTTGGTAGTTTAGATATTTACAACCTAAAAATGTTAATAGGGCTGTA
AATGATGTGCGGGTATAAGTATTGCTTTCACTTATATTGTCAAAAATATTTAAGTAATTT
TTAACATTTATACACTGAACTAATTTTAGTCACGCTTAGTATTTTTCTGGCTTCAGTCA
CAAACGTGCCCCATGCACTCGCCAGCCCTGTGAGCGTTCTTCGTATATTTTAAACGGTTC
GCCCGCGTCACTTGTCTTCACTTTTCGCTCTTTGCTCGGTGCTAGTATCGGCCAGC
AGCTAAAAATTTGGAAAGATCGTTGGGGCTGGGATTTTCTGCTGATTAGTACAAAGCCAA
>EP78052 (+) Dm CG2218; range -499 to 100.

AGATTTCTAAATAATCATATCGCAAAAATTACCATTTTGAACATTACCACAAATAGGC

AATTAATAAGTCATATTACATATTTTCGATATAACTTTCCCTTTTTAACTAGATACTTTAT
GATTCAAAGAAGCCAGAGCCTATAGTGTAAGTATGAACTTATCATATCTGCTTTGCT
AATTTAAGTATAAATGATAAACAAGTTCTTGAGATCGTTTTGCTTATTGAACAAGAAA
TCAAATTAAGTATACACTTTTCAAATGTAAATGAATATAACTCAACCATAGCAATCGT
GTTTTTCATTGTTTCATTGAAACGAAACAGATTTGAAAGGCTTGCAATTATACGTTGA
AACAAATATTTAACTCATTTATTTTGGCGCCCAAGCGAATAGGTGTTACCGTACGCG
AGTACTGAGCGAAGTCCATCTGACTGGTCGCACCACCTACCGCCCGGGCATGGTCACA
CTGCACAAGCGAGTGATTTATAAATATTGAAAGGCGAGGCGATAATTGCAATTGAAGC
AGCGTTGTGAGATGCCAGCCGAAGTCCAGGCCAGGCTGTGAGTGTTGAGGATCGGCTGAG
>EP78053 (+) Dm VAP-33-1; range -499 to 100.

TATTTTACAACCTTTGTGTGTCCTTAAGGCCGACTATATTTACATAAAATATGTAATACTA
CCATCAAATACAAATTTGTGTTCTATTAATAAATGCTTTGGCAAGCTTAAATTTATTGT
AATTTTGCATGTTCTTATTTTATTCGATTTTTATGTATTACTTCGACTGCTTTGCTTC
CTGTTGCAAAATTTGTAACCTTAAACTAGGAAAATTTATTTTAATACATTTTAAATTTCA
TGTAATCGTTATGTTATAAATTTAACTAATTTATATTCTGTCAAAAGCTGAATGGCATT
TTCAGGGAAGGAAAATTTTGGTGCAAAATGTTATTAATAACATTTTCAAATTACCTAAA
TAAAAAATAAGAAAATATCTTGCTTAAAAAACACTATATATTTTACAAGGTAA
TTTAACGACCAATGCTTGACAAATGATCGAAAGTCGCTAAACTAAAAATATCGATACCG
ATGCATCGATATTTTTTTCACATCACTAGCTGACAGAATATATGGCTTTTTTACATTTTG
CGTTTTCACTGAAGTTTGGCAAGAAACCGAAGCGTGGTAAACCACTGAAATCGAAAATA
>EP78054 (+) Dm CG7008; range -499 to 100.

TACATCGGCTTGATTCAATTTTACTCGATTTTTAGCAATGTTACAAATAGGAAATCACGTA
ACATTCGCCGAACAGCTGGCGACCATTTATCGATAGCGATACTTTTTGGCGCTGGATC
TATCGACACTATGGCCTGCAATGTGAACATCTAAGGCTGCCCCACAGATAAATTTAAAG
TAAACATAATATAGATATGCACTCGTTAAGCGAATTTAAATTTAGTTTTGAAATGAAACAA
AAAAATCTAGAAATTATTGGAAATTCAAAGTTTCGTCTGATAAATTACGCATAAATACAAT
TAAAAATAATATGAATATATAAAAAATCCCAATATAAAGGATCCCAAATCCCTCTCAATT
TTACCGTCATTCATATTTTTTGTAAATTAAGTTGGCAATTAAGAAAAATGTTTAGCACTA
CCTATCGGATGACAAGCGTGTACGAAAATATCGATGCTATCGCGCTGACTTCTCAGCTC
TAGCTAGCAGTGTCACTTCAGTGAAAATTTTTTAGATTTTGAGAGCGGTTCTTCTCTTGG
TCAAACCTTCATTAGGTTGAAAGCGGTGTTAGCTCCGAAACGCAATCAACGCAATATTCC
>EP78055 (+) Dm CG2698; range -499 to 100.

AGGTACGTGTCCTTGTGCTTTAGTTCTTCTGGATATTTTTGCAACTCGATCAACTGC
TGCAAGTGAAGTCTGTACATAATTTGTAGTATTAATGTATTTCTATAACAGTAAAGATT
AATTTTAATGCGCTTACTTTCCATGGCGTCTGTTTTTGTGTTTGAAGTGTGGCTGTGTT
GAAAAGCGTCAATGGCCTTCATTACAGTAAGTATGTGATAAAAAATTACCTTTTTACGTA
CGCCTGTTTCGCATCAATAGCCAATTTGTAAAGATTATATCTTGTATGCTCCTAGGCAAT
TGTTTCTAAGATATATCTATGTGTAATTTTTTATAATATTTTATACAACAAACATTAA
TTATTTTCATGCGATATTATTTCTGTTTTAGGGGATGCGCACTGTGTATCGGCTGGCTGCC
AGTGTGCGAACCAGCCACTTCCAGCCCTGCGCGCTGACGTAATTTGGCAGAAACGA
CGTATTTTTGTTATGTGAGTCCGCTCCCCGCCCTCATAAAGTGAGTGGCCAGCTGCTC
GTCCAATGACCCTCTAGTTGCGGAATTTAGTATCTCCTGTGCGAATCCCACCCAGGC
>EP78056 (+) Dm INX3; range -499 to 100.

TGTTCTCTAAATCTTTGTTTGCCTTCGTCGACTTGAAGTGTGACTGCTTTAAGCTACCCTA
ACATACTCTAAAACCCAAATCTAGCTGATTAAGTTGTACGTCCCCCTTCATCCAGAGAC
CAAACATCAATGATTTACAGATTTCAAATCCAGATGTTATTGGGCTCGTTCAAGTC
GGTTCAAGATCGAGGGAATCTGAGAATCAAGCCATTTGAGCGAGAACTACCTAAGCGA
CCTGAGGTGTTGGGTGGTCTCTGCACCTCGGCACCAATACTTCTACAGGTAACAAC
ACCGGTCTCTCGGCTCAGTTAAGAGGCAATGCGCGAATGCAGCTTGAGCGTATTTACGA
ACTCGGAGCGGGAACAGCTGGGATCGCTGGTTCCGCCGAGAGGGAACCCACCCAGAT
CGCAAGAGCGACTCTCTCGCGGCTCGGAGGCATATATACAATGGATCGTTCTGTTTCA
GCTCGGGGACTTGTTTTTCAAGTATTTTGAACGCCGCTGAGAGCAGCTGCACATTTTC
GAGATACGGATACGGGTATGGGCACCATTTGACTTGTCTGAAATCACAGCTCAGCACCCT
>EP78057 (+) Dm NCD; range -499 to 100.

TAGAGATGGTCGCGTGAGACCTGCGGCCGTCTGGCAACGACCCGATCACGCAACTGCTT
TCCAACTGGAACGCAATTTCCACAGCTTTTTCGAGGCAACAAATAAATTTCAGAATAGCG
CGGCTTCTCTCACACCGCACAGCTCGCAAAAAGAAAGCAAAACGCTTTCAAGAAGTTC
GCCCGGATTGCCGCAACCGTCCGGCAACGACACTAGTGCTGCGCACAAGACTTCACTCT
TCAGGCTGTTGAACAGTCCGCCGCACTTTTCCACAAAATGAACGGTTGCAATGCAACAG
CCACCGTATTTACACCCGCTTGGGTGAGTTTACGCGCCGAAAACCTGCGGGATGCACG
AGTCAAGGCGAAAATTTGTGCCCGAGGGCCAAAGCTGCAGCACTGAAAACATCTGATTGA
CAAACCTGGAAGTCGTCTTGGCTGGCAACGCCGTACTCTCCCGACAAATGGTCACACTGCC
CCAGAGCATCCCTGCAATCAAAAATAACGGCGGGAATCGACGGCGTCTGTTCAACAAC
GCAAACTAATTGATAAAATCGGTTGCAAGGAGGCAGACGTATCTTCTAAGTTAGGCACA
>EP78058 (+) Dm SNF; range -499 to 100.

TTTAAATGGAGCTCTGCCCTCGCCGAGATATCAGCCGAAATGAAAATTGTAGGGCGGCA
GGCGTTCTTTTATACAGTTTTTCGCCAAATATTTGCGGCCTTCTTGGATTGAAAAAAG
TGTTTTCAAATGTCAGCGGCGCGGTGTGTGAGGTGAGTTTGGCTTCGAACCTACCACGG
CTATGGCAACACTCGAGGAAATATTAGTACTATGTCGTGTGACGCCATTATTTGCCAT
AATTACGATAATAATATTCATATCGATATCGATAGACCTGCCGTGGTGAATAAGTATGTT
CCCCACCCCCAACACACTCGGTTGGCTTTCCAACGACCTGGCAACCCTAACACGCCCCG
CCATTTTGCACCTCTCCATGGGCGGCCATTTTGTGTTAGCGGCCACGCGAGAATTACAGCATG
CAAATTGGCGGGAATTCCACTCTACACACCGCCACTTGGAGACCCCTATAAAGTCGCCTA
CGCAGCCGCCATTTCAATCAGTTCACAATTTGCAGCGAAAGCGCCAACAGCCCCATCACG
TCAAGTTCTTTAATTTAAAAAAGAAGAAAAACACTTTGCTAATCTCGCGACATAAAA
>EP78059 (+) Dm UND; range -499 to 100.

CATCGTTTCCGGATCCGAGGTGTGCTGTCTTCCGCTCGCCGAGGCCGACTGGAAGA
ATTTACAGGTCGACATCGTCGCCGTGCTTAGGGAGTTGCTTTTTGCTGCGTGGGAAAGA
GGATTTCTGCCATTTAAATGAAATTTGAAAAGCACCAGCAATAATAACAAAATCAACC
AGGGATGGAGTTGCACCATATTCGCTTTTTGCAACACTCAAAAGTTCCGCACCACATAAT
AGATGAATATAATTCAAAATATCGGATTAATATATTAAGGTATATCATAGTTGTTTAT
AAGGTGGCTTTGAGATTTTAATAAATAAATATATAAATATACAATATTCGATAAACT
TTTATTTTGTAGTGTTTTTTTTCTTCAAATTAGTGCTCAAAGTCAAATTATGTAAT
TTCAAATTGAACATTCACTGGTTCCGATAGTCCACAGCACGTTTTACAGCACTGGCCTCT
GACACCTCGTGTTTTTGTTCTTTCTCCGCATCGCCATCGCCAGGCAAGAGTGCGCGCTA
CATTTTCTGTTTATTTATCGTTTCAGCCAGCAACCAAGGCACTGCGAAATGTCTGCAACCG
>EP78060 (+) Dm UNC-115; range -499 to 100.

ACAATTATTATTATTAACCTTCTAAGAAAGCTTATTGTCAAATGTACACGCAAAACGCAT
AAAAAAATCACTTATTTAAATAAAAGTTTTAAGTAAAGATTTAAACGGAAACAAAATGA
CTATAGTTGAATTTATTTTAATAAAGTATGGACTTTCCTACTTTATTGCCAAACTAACT
TACTAGTAGATTAGATAAAAAAAGTAGTTCAATTATTATTCTGTCTCTATAAAGTACAA
AGTAAATTATAAGCAGCATCATTTATGGAATTACTTGTATTTTTATAGATTATCAAATT
TATAGGGAACGGTACAGTGGCACGAACGGTGTCACTAATACATGCTCTTCCACAGCC
GAGCTCCCCACCTTTCCAATTGTAGCCAAGTTTAACACCCAACCGCTATTTCCATACGAA
ACTTATCTTTGGGGTTAATTTTAGTGTATTCTTGAAGCACGATGTTTTGCCATCCGAG
CCGTATCTCTCAGATACTTAGTCGTCTTTTGTGCTGCCGTGCGTTTCGTTGCTGGTGCGGT
GCGGTGTTTTTTGCTGGTCGACGCTCCGATTTGAGAATCAGACATTCAGGCATTTCAAA
>EP78061 (+) Dm 26-29KD-PROTEINAS; range -499 to 100.

TTTTTATTGAAAGCTTAGCCAGAAAGAAGTGCAATCAATATTTTAAATTAATAAAAAA
CATTTAATCTCAGCACTTTGGTCACACTAGATGTATAAAATATCTGTATAATCATGTGCA
CCCTGTGCACGCAATAAAATTTGAATTGCTATCGATATTTAAATAATATTGCAAAATC
AACTAAACCTCTTAAGTTACAAAATCGAAGCACATGATATTTTATTAATAAAGAAGC
AATTTCTCAGTAAGTGAACAGAAAAGATATTTCTTCTAATAAAGAAATTTCTAAATAAAA
GAAATGTAAACGGATTACATAGAATTGCGAATAATTTGTAGAATAAAATACTACCATGA
CAAAAAGCAAAGAACTTTGATAAGCTCTTATTACAACTAGAAAGCTCTTCAACCGATTA
ATACCGATGTTTTTACGGCGCGCTTATCTCCTCACCATAGAAAGTTGTTGTTAAAGCA
ATCGGACTATTGAGCCGGCAGAACAGTTTAATTCTTCGAAAAGATAGGTAGTATACTAGA
GTCGGGATCAATTAATATTCCAGACAATTCTCTGGTGAATTCTCAAGAATGCAAGTGTTT
>EP78062 (+) Dm NCT; range -499 to 100.

AGGACTGGGTGCGATCACGGAGAACGCCGCCAGTACCAGGGCGTGGTGGTCTACTCCAT
GAACGACCTGCCTCTGGGCTTCGGCGTACTGGCGCTTCCACAACGGACTGCAAGACCGC
CGATCCCATGACCACCGTATGCTTTCATCAGTCGGATATCGGCGAATATATTCGCGCCGA
GGACACGCTCTTTTAGATCCATAGATGCTAAGTTTTTACATGTTTTGTAGCAATAACCAT
GTTTAGGTAAATAATAAGTATGCTGAAAAACGATAAACTGCTTTTGATTTTTATTTTT
AATGTTAATACTGATAATAATAAATTGATAATAAACTTACACTACATTTTCATAAATT
ATTATTAATAAAAAAATTTTAAATAGTGAGCCAATATTTTGTGGTATATTTATGCAAG
GTATTTTTTGTAGTTTGAATAGTATATACCCGCAATTTTCAATGCCAATGGTATTTTGTAC
CGAAACGGTCACACGCAACACTGCAATTTCTGGACGCGATTTCTGGGAATCTTCGATGG
AAATGCGTCTGAATGCGGCTTCCATATGGCTGTTAATACTGTGATGGAGCAACTATTG
>EP78063 (+) Dm CG5476; range -499 to 100.

TGGTCAAATGCCGAAAATCCATTGGGGCGGGCAATTTAAATTTATTAAGCTGGGAAATTA
GCCCAAAAGCGGAGGGCCAGAGTCTTACTTTCAATCATCCCCAGCTCGATTTGCATAACA
AAATGGGCGAAACAAAAGAATGCGGCTACTGCATAGTCAGACAATTTGGAGCTTGGAGCCG
CTACCGCCCAGCCCTTTGTCGCTGATTTACATAAAAAATTTTGTTTTTCCGTAAGCTGCA
AGTTCATCAAAATTTAATCAACGCCGCCGCCAACGCCACAGCTTCTGCTTTTGTCTTAGC
TTCTGCCAATAGGTCTAGACCAATCGAGCTTGGGCCAAAGCCGCCAAGTGGAAAAAGAA
AAACAGAAAAACAGGTTAGGCTCGCAGACAATGCGAACCTTATCGCGATCTCCAGCACGC
TGTCATTGCGCTGTTCTGATTGACGCCCCGCGGTGTGCGCCAGGCCATATAAATGGCCC
GGCGGCTCAGCTCGACATCATTTGACTTCCGACTCCGGAGCTCCAACTAGAACAGCAAT
CAGTTAACAGCAAGATGCGCGCCTTCGTGCTCTGTGCTGGTGGCCATCGCCTCCGCCG

>EP78064 (+) Dm EIF-1A; range -499 to 100.

TGCGGGTGCCCAAGATGACATGGTTGCCTGAAAAAATGCGTCCGGTGAGTAATAGCTGTG
CACCGAAAATCCACTCACCATATGCCGCAATTGACTCTATCTGCACGCCCTGTTTCAGG
ATCGAGTGAACACTGTAGGCTGGTGCATCTTGCCAAAGTGAAAAAATTCGGTCTCCTC
CGCCTCAATTTATTTTCGTAATAAAGCTTATAACAAACCAGATGGGAGTACCACTAATG
ATAGCTGATGATGATAGATATCGATAGCTTTAGCGGTGGTAAATCGATTTCTTCCTCTTA
TGGTGATAGCGAAATAACTTAAATATACAAAGTAGAAAAATAAATTTGTACATGTTATAA
TTTAAGATTCAATCGCTAATGACTAAAAAGTTGAGTGAAATTTTAAATTACGATACTTA
AACGAATGCTGCCAGACTCTGCATTGCTGTCGATAGCACCAGTTTCGATATACTGGTTCCC
CGCGAAACCGTCCACCTCTAGTCCTTTTCACTTTAGCGAGGCGAAATTGTCACATTTACA
TTTGACAAAATTGTAAGTTTTGAAACAACCTCTGTCGCTTTATTTTCGGGTTGAATGTTTTT

>EP78065 (+) Dm ATPSYN-CF6; range -499 to 100.

CACTTGCAATTGATCACATGGTCACTCTAGTCCATAGATGAGATAGAATAATTTCAAAGT
TTTTAGTTCATATTCATATTATTCATATTATAGTAAAAACAAGATTTATTAATT
ATATTCATTTAGATCGGGTTTTGGCTTGTGTGGGATTTAGATACAGTTTAGGTGGTGT
TTTGGTATGAACGTTTATGGAGCAGTTTTGATTTAAGTTGGACATGTATAGTAAGATACA
TAAACAGACACAGTGTATAAATTGACTTTTTCATATTTGTAATTTTTATTATAGGCTG
TATTTTCGATAGAGGCAAGTAAATTTAAACGGATTGTTGATTAAAAATCTTGTTTCGCAACGA
ATATAATCTATATGATACAGCTGACAAATACAGGATAAAGCAAAAAATCAGCTTAGGAAA
TACCCTTACTATTTAAAAAGCTTACGTCCAATAGTATCGCATACACCCATCACGCGCACA
TCACTAACCAACTGCCATTGTGAAGTGAACAATTGTAACTTTTCCGACGAAAGTTAGC
ATTTGCAAAGGAAAAATAAGGTGAAAACAAGATTTAAATACATAAAAAATTGATTGAGGGA

>EP78066 (+) Dm DALAO; range -499 to 100.

ATTTGACTGCTAAACAATCGCCGGTTGGCAGTGAATTCCTCGCATTGAATAGCAACTGCG
GCTATCGCTGGTGTGCTGGGCAGGATCACTTGGCTGGCGTGTGCTTGGGGCTTTGACCAC
CTGCCCATGGTGGCCAAGCATGCCCCGACCAACGATCGAACGGACCATCAAACGACCGGCA
AACATTTTTTAGTTGTTTACGATTTGTTTATATTTTACAAATCCCAGTTGCGGGGCTGCC
AACTTAATGGAAAAATGATTTGCCGTTGGTATTTTCTAGATTCTAGTGTGGTATAATTTTT
GATTTCTATAAAGCTGAATAAAAAATGAGAAGTTACAGATTTTTTTTATTAGTAGCAGCAA
TTCAGCTAAAGTGTTCTGCTAGTTTTAGGTAACATAAAATTTGTATATTCTCTAGCAGTT
ACTATTTCTTATCATATATATTCGGCTATATATACCAATTCCTGGCTTATATGATTTTT
CTTAGAATCAGATACGGCCACACCTCCACCAACGCCGACAGAAAAATGGCGTCTGTCTGAA
AATTGTTATTTCTCTTGGAAAAATCCATACAAATTTGACCAAGCAATTGCACAAAGATGGC
>EP78067 (+) Dm REG; range -499 to 100.

AATATAGATATTTAAATGAAAAACATTTTAAATTGCACAAAGGGAGACATAATAAACTTAC
TTGGTATTTAAACAAATCTATCGGTCTGGCACGCGGTGCACACAAGACTATCGATAAATG
GCGCGCGTCTTATTTCTTTATATTTTATGATATATATCCGTAAATTTCTAATCACGTTAC
AACAAAGTATATGCAAGTTTAAATGTTAAATGAGAAGCGAGCTTCAGCTGTTGCATTTA
AATAAATGATGCCAACTGCAATGTACATTAATGCATTTAAATATGTTTTGCCAACTTTAA
TGTTTCAGCTAATTTGTTTATGAAACTGAAAGTAATTAGAAGACTTTCAATCTAAAAAAG
TATAGAAAAAATATATATTGACATTCAGATATTTAAGATACTTGTGGGGTATTAATTTG
CAAAATTTCTGCAAACTTCGACGCTATCGATAAGCATCGATTATTTCTTTTCTTCCACCT
CTAGCACCACATGCGTGTGTTGCTTGGGCATCAAAATTTGTGCGTAAGTCTGGTTTTCC
CGCTTTCAATTTGCAATCCGCCGACACAAGTCCCTAAAAGTCCGCCGATTTAGACGGT

>EP78068 (+) Dm THIOLASE; range -499 to 100.

TGGCCTTTGGAAGTAATCCTTTCTTTTCGCCATTTGCATACAGCTAGTTGCCTGCTACAG
TTATCACTTGCATTGCGGTTCAAGGACATGGTTAATGGTCTTCCATTGTGGGAAAGGGTA
TACAGACTGTAGGTGACGAATGAGAGCGCAGATGGACATCGTAAACAGCACGCTTAATAG
GATAATCAAGATCAAGGTCATTGGAGAAATCTATTCCTTTATGGGACTCCCAGATTGCGT
TGCAATACATTTGAATGAAGGTGAATGGTGTAGGAATAGTAAACGATTCTCAGAAGCTAAA
AAATTTAGAAGTGTATATTCAATATAACCAAGAAATATATCTAAAGTTGAAATGAAGA
TCTACCGAATTTTACAAGCTGTCATGCTTTATGATCTACGAGTAAGATCCTCAGAAAGGG
TATTTACAGTTGAAAGCTTTTTCATGCATCAGCTTTGATAACCGATAGTTGCGCGCGAT
CCGGCGTTTATGTTTCTACTAGCCAAACAGCTGCAGTCGCAACAACGAGAAAAGCGAGA
AAAGAAATCAGAAAACCTTTGCAAGATGAGCCTTCAAAATGTCTGCCGCAAGGGTAACGC

>EP78069 (+) Dm RPN5; range -499 to 100.

CGCAATTTTTCGCGGCTAAACAAAGTGATTGGCTTTCCAACAATGTTGGACAACGCAAGAC
GGTGAATACTAACCAACAACACTAGCCACGGATTGGGCTGTGAGATGTGTCGTTTAAGCG
ATAGTTTAACTATTGGTGTGAGATTACGATTGAAGATATAAAGTGTATGTGTTGATTGC
AGGGTTGGAAAGAAATGAGAATTTGTATAAAAAAGGTAATTATATCATTTTGTGTCATAA
AAATATTGTTGTTTTTAAATCAGAAGTTACGCAAAATTATGTTGTTTCGATTGTTAAACCT
CTGACAACCTTATGCGCAATTTACCGATGTTTTCTTGATTTTCGAGTCTTCCATTTTTCT
GACAAATTTTGAGTCATACTTTGAGTTGAAATTATAAAAAAACCCTTTGGAACGTAAT
TTTATCCCTACAAAAATATCTTTGACTGTGACACATCTCGCTCTGGTACTATCACTTCAA
AATTCACCTTTTCAACACTACAAAATCCCGCAGCCAACCTTAACACAGCATTTGTAAGCAA

AAATTTGTGCGGAGATTATTATTAGAAAAAGCCGCTTTTGCATCCAATAACTTTAAGAA
>EP78070 (+) Dm ELONGIN-B; range -499 to 100.

GTCGAACACTCACATCGCTTGAACGTCAGCGTGAAGGAGGAGTCCTTCTTGCGCGCATTT
GCGATCTTCTCCAGGCGCAGGATAAACTGTAAGGAGATACGGTTACTTATCGGCTTCTTT
TAAAGGTATTTCAATTTATTTACGTTTGAATTGTCTAGCAAAACCATTTCTGGCAAATAA
AACAGGAGAAACGGGAAAAGTGACACTGACAGCTATGGCGGTATTTTCTAGTACATTTTC
TTGGCAATAACCAGGGCTGCAAAAGCTCATTACTTATGCGAATTATTTTATTATAAACT
AATGGAAAATATACATTAACGGAATTGTGAAGTATTTGTTAATACACATTAATAGAATT
CACCAAGGCTTTAGACAATCCCTTGCTAAAAGCCCTGCAATAATATCGGATTAGCGATGG
CATTAGACAACGAAGGCCGCTGACCCTGAACATATCGATAGCTCACTATCGATGCGACCAT
CGATGGTTTGACAGCTCTAATTAGTTGAGAAAAGCAGCAGCAAAAGGCTAGAAAAAATCGT
AAAACCTACGAAAACCTACAAGTGGGGGGCAACCGAGGAAGCTGTTGCACAAAACATACACA
>EP78071 (+) Dm BC; range -499 to 100.

CTTGTTTACTTTGGGAGTTGTATTTTCGCGTGGTCGCAAAAAGGTTTCTCGGATACTTTTT
CGGCAAGACAAAAGAAATTAATTTAAGCTTCCTACCCCGAACTAATAACTCTTCAAAA
AGTTGAAAACAATTAATTGGTTGTGGGTATACATTAGGCAGTGCAGTATTGAAAAAAAT
CAGTATATGTATCTAACAAGCTCAATACAGTTTTCAGCTTTAACAACATTCAACTGAAAAT
CAACAATGGTATATTATTTTATGCAAGCAATTAAGAGTATTTCTCTTATCATTGCGGC
TCAACAACCTTTGCGGTATTGCACTTTTGTCTTTTTCAGAAGCTATCGACTAAACCACAA
CGTTTGGATTTGTGAGAAAAAAGGCTCGACCATTGCAGTTTTCGCGTTGGGACTTGATAA
TGAATATTTTAAAAATATTATTTTATATTTCGACTGCTAGTTAGCTATAAAATGAGTT
CGGCTTCTGGGAAAATCACAGTTCTGCAACTGGCTTCTGAGTGAAGTTAAAAGTGTA
GTTGAAAGTGATACATCCATAGAGAAAACCATGACTAACACGGATCTGAAAGCCTTGGAAC
>EP78072 (+) Dm JHEH2; range -499 to 100.

CTTTTCGACTACCTTCTGCATAGATCAAGCTAAGCGATAAAGAACTATTTCAAGGCAAATCG
GACAAACAACAAGAAATATAACAAAAAGAGTTGAAGTTTGCAATATTGTGCGTTGT
GAAAAATACTTTTGACCACCTCTGTATATATTAAGGGCTCCGCGTGTGGTAATTCGAGTT
CTTAATCATTATTAATTAATTAATCAGTATTTAGTTAAATGTCATATAACAATTCATT
TTAAGCATGAATCGTTTCTTGTTCACCTTACTTTCTGTTGATTGATAAATGGAAGTCTTG
ATCATCTTCTAACTAAATGTAAATTTAAGTACAAAAATGCTCTCACTCAATTTGTT
GCCAAAAGCTCGCCGAAATTTCTAAATTTTGTCCAATCATGCTCGCATTGCATTGCCG
TGTGGAATACGATCCACTTGAAATCCACAAGCCAACAAAAAGCTTTTGTGCGGTAGC
TTGCGCTTTACAAATCATTGTGCTCGACGATCGTAAGCGAGGAGTTGCGCAGTTCCGCCG
ATCTGTGTATATAGAATATAAAGAATATAGCATAAACACACAATGGCGAACATCTGGC
>EP78073 (+) Dm SRA; range -499 to 100.

GGTCAGTTCGTGAGGGTGGCGTCTTGCCAGGTGTAAATCTGAAGCTCGTTGGTGGGCAC
GTTGCCGAACATATACTCCGACACGGAGTGGTGTGTCCTCCGTAGAGCAGAAGACACGGAG
CAGCATAGGACAGGTCTGGAAAAACATAAACTTATTAACACATCTAGAGCAAACGCGAA
GTAAACATGACCGGGGTACAAAAACAACTTCTCGCGGTCAATCTGCTTGACCTGCGTCT
TTTCTCCACAATCATAGATTCCAGTTGGCCATGTCTCCCTATTCTGCGGTATATCGTT
ACTAATTTTCTTAATTTTAAACAAAATGCACTTTTAAATGCCGTATATCCGGCTTCTCT
TTGCTCTTTTCGATAACTATATAATCGAATGCAGCAATCCTATCGCACATCGCCGAGTGT
GACCGCTTGTGCGACATACTATCGGGTTTTAGTTTAAATCGATGTTTCCAGAAGCACCAAAA
TTCGCCGTTTCTCAGCTCTAGTCCGAAAACAAAATTCGCTGTGAGCGGTTGTGTCGTCGA
ACGTGAAACTACGCGTCTCCGCAATGACGCAGACTGGAAGCTTCCACTGGCATGACAAAT
>EP78074 (+) Dm VHA13; range -499 to 100.

CTACAACATGGTTGTTATTTAATATCAAACGATAGCCTTCAGATATTAATATGAATAAAAT
TATTTCAAAATTTAATCTTTATGTATTTCAATTTTAAAAATATAAAGAATTTTTTACG
AACTAATTTCTTACAATAGCTTTAAATACAGCCGGAAGTATTACAGTGCGAAGCAGATTA
AACGCTGCATTTTAAATTAATAAGTAAATTAAGTTTACAAAATTATAAAGAAAAATATTCA
TGATGGGAATAAATGAGAAAGTTAATGCTTACAAAAACGTCAAATTATTTAATACTTCTG
GCCAATACAATACCAACAATAATATACAATAAGCTAATCGATATGCAATCGACCGAGC
CATCTCCAAGAGTTTTCGACGACCCAGCTTTCCGGCACACTGCTTACCCACACCAACTAG
CCACCGTGGTGAGTTTGCCTGTGTGTGACTTCGTCATATGACATTTTTCACAGTTTCGTCG
TCGATTGTGATTCTGTGCACTTGTCTTTTTCGACTTGACAGTATACACCACGGCGAGG
AATTAGAGAAGTTTGGAAATTATGGCCAGCCAGACGAGGAATCCAGCAGTTGCTCGCT
>EP78075 (+) Dm PROS-29; range -499 to 100.

AAATTAACAGGAAATAGTGCTTAATAATTAAGCTTAATAAAAAATCGTAGAAATTCCTGAT
TTCTATCAACGATTTTCATGAAATATTTACTCTTATCTATTTCTGTTAAATATATATATA
TATAATATATATAATA
TATATATATATATATATATATAATAAATTTCTGTTTATTATATATATATATTTTATATAT
GAATTATTTTAAATTTTGTATGAAGTAAGGATACAATTTTCTAAATTTGACACAAGT
TCTTAAGTTTAAATCAAGTAAATATTATGTTTTAGTACACCTCAATCTTAAAGGGCTTAT
AAATTGATCTTTGTTAAATGATTTTAAATACCTTATATCGATATGTGGATAAACGTGCAC
ACCACCCCTGGTAAATAGAAACACCTAACGCCATCTAGTTTGCAGCCCTGGTACCGCTT

TGGACGCACTTCGTGTGGCAGTCTGGCAACCTACACTGAATGACAAGTAAATTCTGTTC
GTTTTGCAAAATAAACTTGTAAATTGGTATATTCCTTAGCAATGGTAAGTACCGCGCCCA
>EP78076 (+) Dm ICE; range -499 to 100.

GCTCTCCACTTGCTCTGGTGTCCAGAACATTGGTAATTTTCTTAATTTTTAAACAAATTG
AAACAATTCAACAAATTCTACAGTGCCTCTCAACCTCTTTGAGAGTGTGACCGTGCATA
AGAGCGTATTTTACGGTATTTTACGTTATTTTTCGAAATCCAGCAGCGGTCTGCCTTAT
TTATAAACTGATGTTTACGTTTTAGCTTTGGATGCGAATTCGATTCTACAATAATAAATG
GAAGCAGGCCTGTTTTTATGTAGATTATACAAGTTCACAAAATTACCTCCAAGCTTT
TAATTTCAAATTATTTTAAATTTTTTAAAACCCATTTAATAATTTTTCTATATTTATT
TACTTTCTTTGTTTACCGTAATCGTGACACGAGGGCTGAAGTGTATCACCAATCAGGC
GCTATTTGGTGTTTTTCAACTGCCAACACGGTCTTACAGAATTAAGACAAAAACGCAA
TCGACTAAAGTAATTAGTTAATAACTAGCTGTCTTTGTTGCGCGTAAACACGGACTTTCC
CCAGAACGAAGCTAATTTGCCAAGTCGTGCATCCAAGCTTTTACAGATTTGGAAAAAC
>EP78077 (+) Dm MIT; range -499 to 100.

CAACCTGTGTGATACACAAACGTTTCGTAGCTGCACGGTTTCCAAAATTTACAATTTTACA
ATAAAAGAATTTCGCGGCATATTTGCGGGCTGTTTACATATATGTGCTTTATTTGTTTAT
TAAATTTTTTCGCAAAGTTTAGTCCACTTGATAGATAACCCAAAACCTTAGCTGCACGATT
TCTATTGTTGTTTTACACCTTCGTAGTTGTGCTCAATCAATCTAGATTTTGTGGAAATT
TCCATAAATATTGGTGGCCTCATCGGTCTGGCAACAACAGGTAATTCCTTTAATTCTTTA
ATCATTACTTGTTCCTTAGTAGTGCAAATTAATAATGTAATGTAAAGAAGTTGGAAAAA
TCTTTTTCAAATTTGTTTCGCGCATGTGACAGTGTCCAGACCAACTTTTTTCGCAACGT
TGTGGTCTTTTTTAGGCATACATCATACTGACATCTTTTGGCGAGCAAAGACTGTCTTA
CCATCTGGTAACACTGGTCGAGACATAATAACCTCCGATATAGAAGTCCGATATCGAAAC
GTGTTGGCTTTGAAATTACATAGATTACATCGGGACATTCGAAATGGGCAACGTGCTAGC
>EP78078 (+) Dm CG8057_1; range -499 to 100.

TAGTCGACTAGGAAAGCACTCTTTACCCGTTAATCTGGATTTGTCAGCCGATAATTAG
TGAATTAATTCTGTTGAATTCATAAATAAATAGATAAATTGTATGATTCATTAACCTAT
TTATTAATTGGTTGATAGCTTTGGGATAGTGATTAACTCAAGCAATTCACCGATGCAAT
CTATTGTCTTGAATGATAAGAATTGAAAGAATGTTGCTATGAATTTAAAAATCTTTAAT
GAGTGGCTGCCACTTTAATCTAATTCACGTAATCTTAACTTTCTGAAGGTGCTGGAAC
CCATGACACTTTAATTTTCAAGAACATTCAACCTAACTATAAATTCAAATCGAGTGGCAGC
TCCGATAACGGTCACAGTGCTAAGACCAGGGCGGCACACTGTGTGCTGTGCGCCGATAA
CTTCTTTGTTTTGAATCTACGGGAAAGCAACCTGCGTGTGCTCTCGCCAATTGGAACG
CGAATATAGTGCCTGTGTATATGTAAATGTTTATAATTAGCAATTTTCTACGAAACA
AACGATTAATAATGCAGTTTTCTGCCTACTAAATGCCAAATACAACACACAGACTTCGA
>EP78079 (+) Dm CG8057_2; range -499 to 100.

TGTTTATAATTAGCAATTTTTCTACGAAACAAACGATTAATAATGCAGTTTTCTGCCTA
CTAAATGCCAAATACAACACACAGACTTCGAGCCACGAACGGTGATGTGATCAGAGTACT
AGAGTAATCCAACGAAAAACGCGAGTCCATTTTAAAGCGAAGTATAAAGTGCCAAACAAA
GGGAGCAGTCGAACCCAGTCCAAATCCAATCATTATACTCGGTCCGTGACCTGCCGACGA
GCCAGCGAGTACGGCAATAAGCATGGGCAACGCCAGCTCCTCCGTGCACATGCAACGCGA
GCGCCACAAGTCGACCGACTTGTCCACGCCGAGCTCTCCCGCACATTTCCGCGATTGAT
TGGTGAGGAGGAGCGGGACAGGGCGGGAGTGCTGGCGCAGCAGCTCTGGGCGCTGCAGC
GGGGGCGGTGGGAGCTGCGGGGGGTGGAGGAGGAGGCGGCGAGGCCAAGCTTTCTCGTT
CGACAAAAAACATACGGCAGTCTTGAACGAGGGCTCGTCGCAAGAAGACGACGACCCGTA
CTACACGGGAAGTGAAGTGGATCCACTAGACGAGGCACCGCACACGACGACGCGACATC
>EP78080 (+) Dm VHA68-1; range -499 to 100.

TCTCACACGGATGCAGGTCTTTGCTTTCTTAATTGCGGATTACTTCGGTTTTTACGGA
AATTTATTGCGCCGCTGCCGATTAGTGATGTAAAACAGAAATTCGATCAATTTACAATCG
ATATTTTCTTGCTGATACTTCTGTACTTGGCGGCGACTTATAAGCATTTAAATGTTAGA
GAACATATTAATAAAAAATAATAAGTAATTAATAAATTTGTTCTTTATTATAAGCAATT
AAAAAGAAATTGGCTTAAAGTTGTGGTACAAAACATTTATATTACTGGAGTGAACAAGTT
GCATTGAAGAATTTGGAAAATAGCACAAAATGCAAGCTTATGTTAAATTTTTAATAATT
ACCAACAAGTATTTCAAGATTTAACTGCGGAATGTGCTAGTGGAATCCGACTATTAATGT
ATCGTGACGTGCGTGAGTTTGATGTGAGCCCATCTCTATAGAGAACCTGGAGCCCTCGAC
GATAACCGATAGATCAATACTAGAGTGAATCAAAAAAGCAAGAGAATTTTCATAAGAGC
TGTTGAAACAAATGTGAGCTTATTTAATTTTAGAGCAGCTGAAAAAGCAGTTTTTACGCC
>EP78081 (+) Dm CG6311; range -499 to 100.

GCTCGCCTTTATCCACTATTTGCGGAAAATCATCACGTACTTCTATCACACGGCAAATTC
TACACTGCTCACTATTCAAGCGATTATCACTTTGACCGCTTCGGCGGCGCACATGCCTTA
ATCGCCGATATCGGTGCGCTATAGGTGCCTGTATATATGTCGACGCGCAGTATTAAATA
AAATTTAAACACCGGACGGGAAAAATGCACAAAACGGCGACAAAATCGAGAACAAAACG
CCAGAGTGACCGGTGACGCGCACTGAGAACATACCACAGCACCCAGAAGCCTTAACAGTT
AAGGGAAGCACTTGTTAAATTCATAAAATGGCTCGCAGGCTTTTATTGAACCAAATATTT
ATCAAAATAAGGTGAAGTTCCGTAAAGCATGAAATTTGTAGTTATTATAAATATGTATA

TTATTATAAATTTATTAAGTAACTAATTTGCCACGCAGCTAGTTTGGGTATTGTTTCGGT
ATTATCTGAACACCAACGAACGGCCACACGCAAGCAGTAAAAATCCCAATGAAACGAGAA
ATCCAATAAGTTTTAGCGTCAATGTGTTGCAACGGTTGGTGCAATTTATTGATTAAAAGAG
>EP78082 (+) Dm CG7214; range -499 to 100.

TAAGTTAATTGGTAATTTCTAAGGCTGAACTTTTAAATGTAGATCTTTCGTTAAGGACAT
ACTATTTATGACTTATGTTGTGTTTTCCAATTGTAGAAGCTAGACTGTGGTAATTTGCGC
AATCATTGACGCCCCGCCGCCCTTTTCTTGGTGAGAGGGGTGTGGCTTAGGGGGTGGT
GGTCAGCTTAATGGTTGGCGGAAAGGGGGAACGGGAAGCAGCACCAAGGCAGAGATCT
TCGAGCAGCTGGGCAGTGAAGGCCAAAACCCGGAGCGGATCTACCACAGTGGGTATGGG
TACTCCAATTCTGCCCCGAGACTTGGGCTTGGGCGTCGACGTCTCTAGAGCAGAGTCTCTC
GCGCCATTGCGCTCTCTGGCGCATTTTGATATATATTTTCTTGAAGTGGGGGGCAGGTTT
CGGTTTTGGATTGGAAAAGCGAAGCAAAGTCCGCGCCGCGTTTTTCGTATATAAGTTGC
CACAATTTGGTAGTCGAAATCAGAATCAACTCGTTCGCTGAGTATTCAACAAGCACTTCT
CCTTCAACAACCAACTTCAACACCCACCCCAACAAACAACATGAAGGTGAGGACATTG
>EP78083 (+) Dm EMC; range -499 to 100.

TTCGGGCACACAGGCTGTAGAAGTGTGGATATTTTGTCAAGAACTGAAAGTATCCGAA
AGGATTAATTCATAGCATATACCTCAGTTGTATTTTGAATTATTTTAAATTAGTTTTTC
TCAGAATTCATGGGCTTCACACTACACATCTTCCCCTCTTAAGATCTCAGGCTTAAATTC
GTAATCCATTCTCATTGTGGATTGAAATGATGACTGTGAAGACAAACACGAAGGGCTA
CCCCTTAATTCACATTCTTGTCCACCAAAGCAGACCTCTCCGCAACTCACCTCTTAGGA
ACTCTCTAAATTCGGTTTCAAGTTGTGGTCCAAGTTCACATGGACACCAATGAGACA
CATTCCCCAGTCTCCACTCTCAACCAAGTACATATCTCTCCAGCCGAACGAACCCGA
GAGCGAAGACTCCGCTATCGGATTCGGAATGCCGTTTCGGGGGGTATAAAAGCGGGCG
CTCTGAGCGAGCACCCTCATTGTTGTCTGACCGCTCGCAGCAAAAGATATAGAAATCG
AGAACGTAAACGCAGAAAACACGCTGGATTAAAGTGTTCGTTTCGAACATCGACAGAGT
>EP78084 (+) Dm MLC-C; range -499 to 100.

CGGCGGTACTTCCTCGATGGTCGTTTCCCATTACCGGCTGGTTGCCGCTTTTGCCATT
TGGGACTTGTGCGCCTGTGCGTACTTGCAGCGGCGAGTCGTTGGGATGGTGCGACATGGCG
CGGCGGCGCATGTGCTTGGGCAGCGTCTGGAAGATTAGCTTGTGCTCCGCTGCGTCGTC
TCCTGGCAGTCGGCCACCAATTTGCGAATCTCTGCAGCGCTCGGCCGATAATGGTAC
GTGGTCACGTGCGACGGCAGTGTGACCCGGCCGCCAACGCAGCGTCGTAATCCACCTTC
TGTGTGCTCATCGGGGACTAACTAATTTGGCCAGGATCCAATGCATCCAAAATCAAAACA
AATCGGCGGCAGTGTGGCGTTTCTTGTGAAACGATCTGGCAGCACTGCTCGATTTCAC
TAAACTCCCTGCACATCGATGTTGTGCGACCTATCGAATTTTCGAGTGGCCTATCGATT
GCGCCCACTATCGGCGACCACTAACACCAACAACGTTTTCAGAATTTGCTTGCCTTTTGT
TCGACGTGCAATTCAATATTCAATATTTCTGTATTTTGTGTTGTTTCCCTCAGATAGC
>EP78085 (+) Dm HEIX; range -499 to 100.

TAGTCCATGTTTTATTTCAATTTTATAGAAATCAACAAAAAATTATTGAAAATTTTGCT
CTAAACTCCTATCAGCTGATTGGGACCAGGGCTGCAACGGTACAGTCGTAATCTAGCTT
GTGAAACAAATCTATCATATATGATTAAATTTGTTTCGCGTGTAAAATGAATTTTCATA
CTCAATGTGGATTCAATTTCCGCAATATGCAAAAGATATAGTAATATTTTGGTGAGCTAC
TTCAACTACTAATTACGTTGATAAGTGTGATAACAATGATTACATAAATATTTAAACC
CACCTTTGTTTTACGAATTATATAAAAAATGCACATACATGTACCGCTAAATATTTATTG
CATATTATCTGAATTATTTTCATTTATGAAATTTGGGTAAGAACTGTAGGAATAGGCAGG
GCTGCACATGCGATACGGCGTTGCCACCTTCAACGAAAAAGTGAACCTTTTTTCGTTTT
TGCGCTGACGTGACGTGACAGTTGATTTGTTTGTATGTTTAAATAACTAAGAGTAAATCGCA
GCCAAATCGATTGCGCCACTAACCCGGAATCGATAGCCGGAAGCAAGACGCAGCCGGA
>EP78086 (+) Dm RPT1; range -499 to 100.

TTAAAAATTTCTGAAATACCTTCTGTTGGTGAAGAAAGTTCAGTGCTGATTTTCAGTGC
GAGTGTACATATATATTATTTAATTTAAAAATAAAAGTACAGGTAAGGTAAAGGGTGCAG
AATGTATGTTTACTTATCAATCAAGCAATATCAGTACTTTAAAAATAACAAAGTTTCTTA
TCTATTTCAATTCAATATCTACCAATTTTGAAGTAAACACATGCATGGAAATTCGCAA
CATGCTCTAAGATAAGATAAGAAATATAACAGCATTATAGACATTTTATGTGTTAAAAAT
TAAGCTCCAGTTACTAATTAGTATATTTCCAATTGAAATACCATAAAATAATTTTGGGAA
AAGTTTAAGATTGTATTTTAAACAGTAGAAGTTAAAGTGGCTACACATCGATAGTTCCC
AGTGTAAAGTCAGTGTGGGAAAGCATGTATCGATTCTGTCGATAGCGCTAGCGGTGCTT
CTCCCATCTCTATGCCAAATGTTTCAGTCATTCTCGCCGTAACAAACAAAGGAAAACATCG
CATAAACTCATTTTTTGCCTTAAAAACCGTACAATTGCAATCGAATAAGATGCCGACTA
>EP78087 (+) Dm SEST; range -499 to 100.

TCATAGCGACCGTCTCTCCTGCGCTACAGAGCAACTCTCCCCACCCCGAGCCCTCAGG
AAAATGGTCAGACTGCTTCTGCTCTGCTGTTGCTGCTTTGCTGCTCTTTCTGTCCCA
CACACTTGCTCTCTCGCTCGTTGCTCGTAATAAGCTTACACAGAAAACAAATAATTGAAA
TCTAAAGAAGTTCTCTTTAAATTATTAACGCAAGGTATAATTAGATACAATGAAAA
AAGTTTCTTGATGAGATCCTTTTAAAGTACGAAATCGCTGTTAAAGGCCATATAACTA
GCATTGCATTAGTTGGTGATTAAAGTGCTTGACTTTTCGCGCAGTGTGGCGCACTCTCTT

CGGCTCTCCGCCCCCGTCAGCTGTTGTTGTTGCACTGTGGGGCTTTGGGGCTGCGATACC
AGCTGTTTCGTTTCGATCGTTTCGTTGCGATTTCGTTTCATTTTCGTTTCGCCGCGATTTCG
ATTCGAGTCGAGCTGCTTCAGTTGAAGTTTGTGCTGGCCGCGTTTCAGTTGTCCGGCTAG
AAAAGCGGAAGACCGGGAATCCAGACGCGCTACAGACGCCGATATCTGCTCCCACTCT
>EP78088 (+) Dm ADK2; range -499 to 100.

TCCTTCAAGGGCCACCTCGGCGACCAGGACTTCTTCACCCTGCTGGGATACGAGTACCCG
AACTTAATCTACAGACTGGACTGCATTTGGAACCGCCAGCTGTGCACCTGGTGAAGGAT
CACGGATACTCAGAGATATTCGACGCTTATTTCCGGTGCAGGGCAATATTAATTAATGTAC
CATGGCAACTGTAATACGCGAATTCAGAAATAAATAAAATTGTTATAGGAATATTAATTA
AATTAAATGCAGGGTATTTTTATTTGGTATAACTATTGTAATGGAACGTTATGTAATATA
CGGTGAATTTAATCTTAGTTTATAGACCATTATAAATGGTGATATATAAAATGAAATTT
AAAGATAAAAGACAGCCCACACCTATCACCATTTAAATATCAAAACGATGTAAGAATGT
TATCGATAGGCGAGAAGCAACAGAGTGGGAATATGCCGCACAGGGTGTTCGTGTGAATG
ATTTTCGCTCTTGTTCCTTATCTTTAACCTTCATTTCTGGCTCCGTTTGGCTATGAATTA
GGAGCAGTCCCGAATAATCAGTCGAGCATACGTAGTTAACGATGGCGCCGAATGCAGCAG
>EP78089 (+) Dm DMMCM5; range -499 to 100.

TGCGAATCGGGTTCGTGCACTAGGCCCTGTGCGATTGCCGTACATTTTGACCAAACTT
ACCATTTTCTAATTTCTTCGCGCTCTCTTTGGTTTTTTCAGTCGAAAAATTGGCGACTAA
ATGATGGGACTGTTTCTACAGCACGCTAGTTTAAAGGTCGCTTATCAACACTGCCCCCG
CACAAAAGCTGGAAACAAATATCGCCAGCTCGATATTATTGGATTTTTCTGAAATTTTAG
TATTTTTGAGCTGGGAAGAATTGGAGTCAGTTGTCTAAGGCATGTTCCATATAATCGAGT
AAAATAATCTTTGTCATAACATCAATAAGATATAATAAATACGTTTCATGGTTTATTAAT
GCTGCAATGCTTGTGTATTGGTCTATTTACTGCTAACAAAAATACATAAACTGGGAA
ACACGTTTCATCGATAGTTGTAATAAGATCCGATAGTTTACTGGTAAGTGCTCATCTC
TAGCTACCGCTTGCCCGGTAATTTTGGCGGCAAAATATTCGCACATCGCATTTACTAAAA
AACGAAATATAAAGCGAAGCAGAAGTAGCGTCTATTACCTCAGTTCTTCTTTTAACTTT
>EP78090 (+) Dm CG1832; range -499 to 100.

GCCTGTAAATTTTCGTTATCTTATGGAATTTGTTATCAACCATGGCCCATGATCTTACCA
AAGACACTAGAATATTCTAGTGTCTTTGCTCTTACAGTGTTACCTTAGCTGTAGAATAT
TAAAGTTAAGTCTCAATAAATTTAAACGTGTTTTTAAACGCAGCTCAGCACAAGATATT
TCTTTTCGAAAGCTAGTAACAGCCAGATTCTACTGATCGTAGCGTTTGCTTTTGAGTAA
GAGACAACATGTAAGACAACATGTGATGTAATCCAAATTACGAAGTACAAAACGTATATA
AAAAATATTTATGTTTTCTGAGTTATCGAATTAGTGTAAGGAGGCTCTAAGAAATCCTACC
AGTTCTTTGTGAATTTTGGTATATTTTCGAGGGAAATGATTATTTTCATGAGTCGTGAAA
CGGTCACACTTTTAAAAAGTAAACTGCTGCTCGTCTGCTCTATCTCTGAGCGTTGTTCT
GTCTCCATCTCTTTAGCAATCGTAAAAAATGATGGACTGAAAGTTAAAGTGCTGGAAT
TTGTTAGAAAAAGATAACACTATTTAAATATATATCTTGTATTATTCCAAACAATATATC
>EP78091 (+) Dm CIP4; range -499 to 100.

CAGCTGATAGTGTTAACAGCTGATGCAAGGAAAGTACTAAAAATGATCTAGCGCCTGGCG
CACATGCTTACACCTTACAGTGTCGCAAAATCTATTGCTCCAGTGAATTTAATGTTCAAA
TTAATATATTATATAACAATAAGCGATGCTCTTGTACTTTAAAGCAATAAACAATA
ATAAGAAGTTTCTTCAAGCTCAATAATAGCTTTCTTCATCTGTTTCAACGTTATGTTAT
TCCATAAAATTTATAGTTTTCAAGGCCACAATAATATATTTAAAAAGTCTACAATTAACG
TTAAATTATAAAAAAATGGGGGCACGTATTAACGAAAGTTTCATATATTTTATATAAT
AATAATTAACTTTACAGTTGCTCTCAATATGGGTTTCATATCCCCGCTAGATGTTAAAGA
GTTAGAAATTAGGTGCGCATCGGTCTCTGGTCACACTGCAACGCAGAGGTGTGCCTATT
CAAAACACATTGGGTGCACTGTGTATTGATGCCGAAGTGAAAAACGAGCGGAAAGTTG
CGAGCGGATAAAATGTTTTTTCGCACGCCAAAAAGGAGAAACAATGCTTGCCTTGTGT
>EP78092 (+) Dm AHCY; range -499 to 100.

AACGCACTGACTCGCACTTTGCTTTTCGCTGTGTATTTTCCCTAAGACTCTGCTCAGT
TATCGATGTCGGTTTTAGTGATGGTTTCAGCATCGATAAGCTTTTCGTTGGGAATCAAAGTG
TAGGCCTCAAATATCGAAAGAATTACTTTAAAGAATTAATGTTATTTGAATTACATATTA
AATTCAATTTTGGCAGAAAACTTATTATTTAACACATTTAACATTAATCTAGAATTCGA
AAAATGTGAATAACTGGTATACAATGGTCTGATTTTTTAGGACCTATTAATACATTTTAT
TAAATGATAGCAAAAAGAAAAGATTCTATATACAATTGGATGTAAACCAGCAGTTATCA
TATGAATTTTAAATTTAAATGGCAACAATCGTGCCAATCGGAAGTGTCCAGCTGAACCA
GCTGCGTGGAACGATTCCCATCCCTGGGGCCGCCATTCCGCAATTGGAATTCAGTGTC
TTGGGTTGCGATTTCGATTCATTTACCGCTGCCCGCTCTCAATTCGGTTGTGTGCGATT
CTGTCTGCTCCGCATCCAAGTCAAACATCCAATCCTTGCAAGAATGTGCAAGCCAGCTA
>EP78093 (+) Dm BCDNA LD02793; range -499 to 100.

GGATTGACGAACTTTTTTGGGGTTCCTCTGTGCCGGCTATCAGGTTCTCTGCGCTGGAG
GTTTTGGAGGCTTGCTCACTGGTGCGGCACATCCCTTTAGCAACTGGCTGCCAGACGC
CATCGTGCAAAATGCTTCAGCATTTTAAAAATATACCTTAATGGCAGTAACTATGTTAT
AAAAGTAGATCGTGAATTGAATAACAGAAACAACGTGCTAGGGTTGCCAGCAATTATGGA
TTGTGCGTGCGGAACGTGATTGGCAAAACGGTGAGATAGCTGATTGATTTAAGATATGT

TACTCACTTCTCTATCAGTAAATGTCATTTATCTATAAAAACTATTGTTATGGATTAAT
ACTTATTGAATGTGTTGTGTTATCAATAAAATAAATTGTTTAAATTCTAGCTAGTTTTTT
CTGTGCAAATTTCTAGCCAAAATCCATTTGATCTGGCAGCCCTGTGCTCGAAACTCCCGC
GTCGCCGAGTAACTGGCATAATAAGAAGAAGCGGCTTTGCCGACAATTTTGCGCTTGGCT
CGGGAAAAACGTGTAAACATTTAATTTACCAACAAGACTACGCGAAAAGCGACATAATC
>EP78094 (+) Dm ZF30C; range -499 to 100.

TAAAGAATAGTGAATTAATTAACGTATTATTATCATCTACGACGTCAATGGCTTAGAAAA
GAAAAATAATAAAATTTAAATATAGTTTTAAAGACTGATTTATTAACAATCCATGGC
ATTACAAGAAGTATTTGCTAAATTTGAATTTAAATCGCCCGCGAGAATCGGGCAATGC
AACCTTGGATTGCGGCTCTCTCGCTGTGCAGTGAACAAAATTTGTGTATCTAATCGGCGA
GTAAGTAGTATAACAAGCTCAAAGATTGGTCGGTTCTTTCTGCATTATTTTACAGCTGT
ATTTTCATTAACAATAGTTATGCTAAGGGAACCTTAAATTTATTTTTCAAAATTTTCAA
ACCGTGGAGGGGAAATTCGCCACGACTTTAAACGCTGAGAATCCAAATAAACGAGAAG
AGCCGTACCGAACTGGTTCGTGGCAATGCTGGGGCGAACCAGTTCGACGCTCAAATGA
GCGCTGCGACCAGGGCTGCATTGCCACCCTCGAGCTGCACAAAGAAAAATAATTTACTCG
CCAGCAGCTCATTGGCGTTTTTTCATTTTTTAAAGTGTACTTAAGAGTTGTTAATATTTT
>EP78095 (+) Dm CG11771; range -499 to 100.

ACATTATTACGCGAGCACAGTCAAGAATTCGAGAATTATCACTGGAGCGCCGTGGTACC
TTCGGAACGAAAACATACACAGAGACCTAAAAATCAAATTAGTAATCGAAGTAATAGCTG
AGAAAAAACGAAGTATAACGAAAAGCTGACCACCCATACAAATCCCCTCGAAGAAAAAC
TAATCCGAGTATGCAGTCAAAGCCGGCTGCACCGCAACGACCTCCAGCCAGCAATAAA
CTTATTAGGGCATTAAATGAAAAAATAAACTATCACTAAGTGAAAGTTAATTAAGTTAG
ATTAAGATTTGAACACTTATTGTTAGTCTCTTAACACAAAGGGAAGATTCAATAAATAAT
AAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGAAGTCACAGATTAGGATAGATTGGATT
CAGTGACTGCAGTAAAGTGTGATTTTCGCATCACTGCCGCTCCACCGCTGATGGTGGCA
ACCTTGGCCGCTGTCACTTGTCTTTTGGTCCAGGCGTGTGTGTAAACGCTGGCCCCCAT
TTCAGAATCCCAAATTCGGCGCAAACTGTCCGGAATTGTACATATCTGGATTAACGACT
>EP78096 (+) Dm MYS; range -499 to 100.

AGAGAGCCAGAGAGCAAAGTAGTCACACATACTCTCGCAAACCTCATAGTGGCTTTCGTT
TCTCCTTTTCTCAACCATTTGCACGTACTTTTAGCTTTTTCATATGGCTATTTGGGAAAT
TCACCAGCAGTTTACACTTATGCTGTTGTTAGTTTTAATCCATTTATACTGGTAGAACGT
AGATTCGTGCGTACTTTACATTAATTTTCGTAACGTAAGCGCAACAAAAACAAGGCTGTC
ATCGATATAAGCAGGCGTTTTTGTCTGAACTATCGTGCAATAAGTGACTCCGATAACCA
GAGTTCTTTACGTGTTTTCTGATTACTTATCGGATTGTGTTTGCAGACACAAATGTCTC
TTTTAGCGGAGACACAGTCTCCAAACTGTGCAACACTGTTCTAGGCTCGGTGTGACC
AGAGCTATTTAACAACACTGGCGAACATCGGATGGCAAATATCGAAAGAACATTGACTGT
TGTTCCACCCCTGCTGACACCATCTGGTAACACTGAACAACAGACCAGATCCGCGGACA
AAGCAAAGCAGTAAATATTAATTTAATCCAAATCCAATTCGACACCAATTGGCGGCT
>EP78097 (+) Dm BIN4; range -499 to 100.

CAGCAATATACTAACAATAACAAATATACAAATAATACTATTAATTTGTTTCATTC
ACAAAAACAGTTTTTGCATGTCTTAACATTAGTTTGTAGAAGATTGAAAATTTCTCAGAAC
TGACAATGGTAGCTTAGAATACATAATACGTTTTATCCACTGACATTACGCGCCACTAAT
TCACAGTGTGCCCTTCGCACAGCCGAGAACAATCGCGCTTAGGTGCTAGCCGACGTCTG
GTCTGGTCACACTGCTACCTGCACAACAACAACAACAACACTGAAAAACAGCAAA
ATAGAGCCAGCCTTAGCTACCAATATTTATATTAGAATTTAGCTACCCCAACTGCGAG
TGCGCGCTTTTTACTGCGATTTTTTGGCTGCCCTCACGCGCACGCACGAACAGTGAT
TGCGCAATCCAGTGGAACGAGTGGAGTGTGGTGGTGTGCGGTGTGTGTGTGTAACAAC
AAGCGGACGACAAGGAAACAGAAACCGAAACAGAAACAACGGGAATTGATTGGGACGAGT
GGAGCTTTTGATGGGCAACTCGCAACCGCGTAATGCAAGCAGAAGCAGAAGGACATCCCA
>EP78098 (+) Dm KRAKEN; range -499 to 100.

CGCTCCGATTTCTCGCTGTTGCGACTGATGTCCTGATCCGCTTGCCACATTCATCTTG
TGCCGCTTGCCACTCTCGTGAAGGCGACGCTCTGCGGGATTAGGGGTCTTAGAGTGCC
GAAAAGCGAGTTTATTCTATGGACTCACCGCCTTGTTGTCGCTCAGCCAGCATTTCGAGA
AGTCGCAGAACTTGCGCTCGTTTGATTTCCAGTACTCCGTCCTGTTGGAATCGAGAGTTA
GCTATGGCAAAGCCGGAGGATAATAACGCAGACTTACATGATGATTTCTCAGCTTAATTG
TTTCGAATACAAGTAATATTAATTTTTGTTTGCAATCGCAAATGAAAACAATGTGCGGGA
GTTGCCACCCAGTCGCGAATGGAGCTGCACAATAGCTCCGTATCTGACTTTCTAGCCATT
CCACCGCCAAACCGACATATCTGTCAATAGCTATTGACAATCGAATTCGTTGATCGGCA
AACTTTGCGACTTTAGTTAGTTCGCTTTTTGAGATTCCTCCGAGGCAGGAGCTCGCCCGAT
CCGCGTCCAGCATTACGGAGCACCATTTCGAGAGCAATTAGCCATGGGCCAGACACGC
>EP78099 (+) Dm MCM2; range -499 to 100.

TCCAGTTAGAGCTGATTTTCAGGGCAGTAAAGTTTTGGTTGCTTAAGAGAAAACATTTAT
TTTACTTTATTATTACTATTTCTACAGCAACATATTGAGAATAATTGTCTATTATTTTG
ACACATAGCTTTAAGCTTGACTTACATTGTTTGTGTTAATGCTCACAACACTAGTTATTGTA
AGCATTTCTATTTCAATGGAATTATAAATATTTAATAACTGTGTGATATTTTATTGACAC

ATTCTTTGTATTAAAGCCTACATTCAGTGCCTTTGTAACCTTTTTAAATTGAATGGTGTAA
TATATATATTTAAAAATTTTTTGTAAAGCTCTTTAAACTCGGTGATATTTTATTGACACAAG
GAAAGTTGTTACAGTCGGGTGTTCTTATAAACATGTATGCAGAAGCGGGTGTCCACTGTA
TGACCCAGACGTTAACAGCACTGCTTATCGGAACTAGACCGCAGCCCTGAGTTGGCTCGA
TTAGCAAACATTTTCCGCGCATTTTCGCACGCGTCGTACACAAGATCGGCGGTACAA
AACAAAACATATTACAGATAAACGCTAAGCACAACAGACGCACGTAATGGACAATCCCAG
>EP78100 (+) Dm ABI; range -499 to 100.

TTGTGTATATACGTTTCTGGATTAAATCCACTCACCATTCTCGATCGAACTTTTATCAC
GCGAAATTTACCATTCTTCGCTTTGCCGAACACCTTGGCCAGCTGCTCGTTGGCTGAAAA
TACAAAGGGTGTCTAAGGATGCGGATTAGGTGGTTCCCAAAGATAACAAACCTCGGATA
CCCGTTTGGTGAGACATTTGGACAACAGCTAAAATTAATATTGCCGAAAAATATATTAC
TCACAACCAGTGTGACCGCAAAGCGGAGTAGGGAAATACTAAACCGGGAAATATGTACC
GATTCTGATTGGCAATCACTTCAAAGCGGCTTTAAATGTGTAAAAAAGAAATTATTA
ATTAAAAAGATACTGTAATGCTATTTTTATACTAAATTTTGGGAAAAATTTTAACTC
TGTTTTATAGAACATACATTTCAAAAATAATACCAATGTGTCTGCACTGATACAGTGT
GAAAAATTTCTCAAGCTCCAGTACTTTGCAGCACAGGCCAGCGTTCTTTCTTTTTCACG
GAAAAATGTAATGAAAACTGCATTTAACTGCATTTAAACGTAGCAACTAGCCCGGAAAA
>EP78101 (+) Dm CG1837; range -499 to 100.

TGGAGAGCGACATTCGAATTCGTAGTGGTTGAATTTGTATTCTCTCTTTGCCATGACACA
GCTGTATGTATTAATCATTCCGTATACAAGCAACTTTTTCGCACAGGCCCTTTCCAAAT
CAACTACGTCTCTGTGTGCGACTCGCTCGTTTTTGTATTTTGCATTCTCGCTGTTCA
CGCACCAATACACACAAGTGGTTGTTCAAAGTTGCCAGATTAACTTTTACCGGTGCCAG
ACTGTTTTAACTTGAAGAGGATGATGTACTTGTACTTATATATTTTTGTGACTAAAAA
TTAAATTTCTAAAAAAGCAACATAATCCATTTTATTGTTATTTATTAATATATAGT
TCCCTTAACAACATGTGTATATTTTTTAAATCGATGATCAGCTGGCCTTGCCTGTCTA
TCGATTGCCCTTTTGGCATCTCTAGTCCTATTCATCGAAATTTATTTTGTATCCGGAC
GTGGTCCCCCAACATTTTCAGATCTCTCCAAGCGTTCCGTGCATCATGTTGACCAGGTCC
ATTTTATCCGTTGCCGTGTGTGGCCTCCTCCTGTCGCCCTCCTGCCCATCACCCGTGCG
>EP78102 (+) Dm STIM; range -499 to 100.

AAAATTTTTTTAGCTGAATTATCGCGGAAACAAACTATTTATATTGAAATATTAATAA
ATAGATAGGGATCGGTGGGATAACAGGTTTCATATGCGAAAAAATTCAGTCGTTCCGCT
TTTATATCCACTAAGCGAAAAATTGCCGAACGCAAGCATATCGATCTTTAAATGTGAAAA
GCCAACCAATAGCTAACAGGATAAATATTAATAATAGAATAGAAAAACAAATCAATAT
TTGAGGTAAGGCCGTTACAGGATATTTTTGAAGAATTATCGGTAATTATCGAAATGCCCT
AAAAAGTGGAAACAGTGTATTAACCGTACTTTACAATGTATGTATCACTATTATACGTT
GCATATATTTCTTCTATTGTCCTTTTGCTAATATATTATGTTGCATACAAAACTTTAAC
CTATTCGGCAAAATATACAATAGCTCTTACATGACAAGTGTTCAGCTTAAATTTGAA
GTGTACATTTTTCGCTTTCAGTCGACTGGTCACACCGTTCAACCCAACTGACTCGGGAA
TTTTAGGGTGAGTGCTTTTATTTTATTTGAGGTCTAAAAAAGCTTATGGAAGTTTACC
>EP78104 (+) Dm MYB; range -499 to 100.

TTGGCAACCCTCAATTTTGGGAGCCTTTTTCGAGATATATGGACGATTCACGTATTAATA
TTAATATACGTCAAGTTTTAAATCCAGGAGATGTTAAGCTTTAACCCTCCTTGAAAAA
TTTTTAATTTTATAGTATTTTACAAAATAAAAACTGCATTTCAATTGAAAACTAAAGAA
ACATAGCAATTAACGTTGAAGTGATGCGTTCAATGGAATATCTTAAATGTATAGGTGAA
GTTAATAGTTTTATAAATATATTTTTCAGTCCCTATAAATGCTACTGACAACTAAATTTG
GCAATTCGACAAAATATTTTATCCGATGGCAACTTTTAAACAATATTTCCAAGAAGTT
GATAGCTAAATATCGATACTATCCCAGCTATCGTACAAGATATTGACTTCTAGTGAAAC
GTGCCGATTACCGTAGTGATTATTTATCGATAGATTTTAAATCGTTTTGAATTACAACGCT
AGTGCTCGTGAACGGTCACACTAAGTACTACATTTAATATAATAAGATGCGACGCCGTA
AAATTCAGTGTGAAAACGTGAATGAAGTCAAAAACACCAAGTGTATCCCATAGC
>EP78105 (+) Dm ZIP; range -499 to 100.

TCTGAAAACACATACATCGATATGTCAACACTGATTAATAATCTACATATGGATCGCATC
TAGATTTTGTAAAGCACACACCTGTAACATTTTTTTCAGGTGGCCATTGTATTCCTCT
ATAACAGAATATCTAAGTTTTTAGCAAAGTATCGCATCAGCTTCTCTGGTTCATGACTG
CACTTAAGATCGAAATATTCGCGGCTTCAAGCCAAGCGGTGTCGATTGGAATCGAATACT
TCCGGAATAGAAATGAGATTAATTTATTTTCCGATTTCACTCACTTGCATATTCAGATG
TAGCAAAGGATGTTTCCAACCTCACTTTTCAATTTATAATATTGGTCAAATTAGTGCAAGC
TAAGTATCGTATATGTCGATTTTACTTTTGACATATACGTAGTTTCATTTAGTTGGACCGC
ACGACAACATCAAAATACCTTACCGCTTTTTGTTTTTGGTGTGTTTGCAGGGTCTCGCGT
GCTGTCTCTCTTCAATCAGTTCTTGGTAAAAACCAACTTCAATAAACCGTTGGGTAA
TGCGCGGATGTGCGGATACTTTCAGTTAATTTTGAATTTTTCGAGGAACGGTGAAGGTCC
>EP78106 (+) Dm ALPHA-ADAPTIN; range -499 to 100.

GCCACGGTATCCGGTGCTACTCCTGGTACTTGGATCGATCTGGTCGGTCTGTGTTTTCA
ATTCTGCCAGTTTGCTGCTTGCCGAAGAGCACTTCACATATTTTTTCCACAAATAAAAC
CGAGGGATCGAAAACGCGTTTCTGAAACGCGCAAAAAAATGGCGGAGTAATCTCAAGGTG

TGCGCTGCGAGAGGTTGCGCAGCCTTGTGTTTTGTGACGTACACAAGTTTTGACAACAAC
TAATCAAATTTGAGTCATATTTTTGTATTGCACCAAGCGTTACCTTAAAGGATAGAACGG
AAATTTATTAGCCATAAAAAACAATTAAGAAGATATTTTTGGATTTCTGCTTGGAGCAAAA
GGTAAAAAATTTCTAAAGCGAATTGTCGTCTCTCTCGTCCATCCCTGTGATCCCATCCC
TCGAAGTAATCATTGTATTCAACCCAACGCTCTACTGGTCACACCAATCGTTCCACCCG
CGCCCGCTAGATGGCTCCACTCTTAGGCAGCGAGAGCGAAGAAAAATCAATAGAAATTTT
CATTTTAGTGAATTGCCCTGCACTTGGTAATAGTTAACAAACAAATTAGCGGCAAATCAG
>EP78107 (+) Dm CG31775; range -499 to 100.

GTCTAACCTGTTAAGCGCTAAATTCAAAGACATAACATAATTATACGTATGTATAAAAA
ATTAATCCATGATTACAAGGATTTTCATACTTAATTATCCCTCCTCATTTTCGAAAGTCTAA
TGATAACCCAGAAAAGCAAACAAGAACATTTGTTGCCGTAACACGTTTGTGATGCGTGAA
AACGGAACATAAATGATCTAAAGTAATCTCAAACAACGCTTTCTTCTAAGTCGCCCTTAG
TTTTTCTTAGCAACTGTTGCGGACTTATTAGATTAGGCTCGACTTCCCAGATAAGATTGA
TGTTGAAGGGTTCCCCCGTTGAGCATAGGCATTGATACAGTGCTCAAATATTAATTTCC
CAGACGTCTGGAATTTTTTTCGTATTTTTGTTGGGTTAATTGTACTTGATTTTGTGAGA
ACATTGATAAATACTTCGGCGCGTGACGACATGATGAGATTGCAGGAGAGTATAAAGATC
GGAGGCGTCCAAAAATTTTATTCACATTAGCAAGACTAACCGAAGTATCAGCACCATGAA
GTTTTTGGTACGTTTTACATATACGCTTCAAAGAAAAACCTTTAAGAACTAAGTTGATT
>EP78108 (+) Dm SMID; range -499 to 100.

TAATTAACACCTCACTTATTGCGCGTCCAGCGTTTGTGATGTAAAAGCACATTTAATTT
TTGGTTTGGTTACTTGTAAATTCAGACTACTCAGTTGTTCCGTTCCAGAGAGCAAGCGAG
AGAGCAGAGCGGAGTCAGCAACTATGCTGGGGGCGGGAGCGAGATAACAAGGCCGAACAG
CTGACTTCGGCCATCGATAGTTTTTGGACAACGCCAACGCTATCGATGAACAGTTACTTC
GGTCTTAAGTGTGTTTACACCGAAAAATTTTCGAGAATTTGCTCTCGTAAAAGTCAA
AAGGTTTTAAACTCTTATCGTTAGCTTAATATTATTTTAAATAAAACAATTTGAGGTGTC
TGCGGAGTAGAAATTTTAAATATTAACGCTTGACTGATATAAATCTCGTTTCGATATAT
ACGAAACCATGGTGAAATGTGGAAGAGTGGAACCGCCTCCAAAGCGAAGATATCGAAG
CCACAGCTTCGTTTCGTTAGCATTTTGCAGCGGCAAAGTGATTTAATTGTCCTCGTGCG
AATGTCTAGACAGAAGTAATCCTCGAATAATATGAAGAAAGCCAAGCCGCTGCTGCACGA
>EP78109 (+) Dm CLC; range -499 to 100.

TCCAAACTTAAATATTATATAAATCTAGGTTTTATTAAGTATATGTACGTTCTAAATT
ATATATGAACGAATCAAGCCACCACCATTAACATTTTGCAACACTAATTGACCAGAAAC
CCAGTGGAATAATTGACGTGCTGATATAATTTAAAGTTTAGTTAAGGAAAAATTAATG
TTCTTACTTTGGTTTTTCAACATACATTATCATAAAGTTAGCTTAATAATACAAAAT
GTAGCTAAATCTTAACTCGTTATCCGTGATGTTAAGGAATGTTGAATTCGGCTTTGACA
AGTAAATAGTTAACAATGGTTTCTGTTCTTAAATATTACTAATTTGTATACATTTAAA
AGATTTGGCATAATAACTGGTGTAATAAATATTTATTTTTTAAATAAAAAATCATAACA
TTAAATTTAAACCATCGCGTTGCGATATATGTTGCATTATCCAGCACTGTTGCGCTGGA
ACCAAGTTGATAGCCCGCTGTTTTATGGTTGGTTCACGTAATGACAGTCATTTTACG
TATTCATTGCTAAAAGAAACTGAAAAAATACATTTGACCAAGTTTCCGTTAGTCATCC
>EP78110 (+) Dm SYTIV; range -499 to 100.

TTTTAAGCCCTGACTTCTAGGTTTTTGTGAGTTACCCGATTGATCACTGCACTTGGAT
GGGCTTTCTGTTGGTCTCTTTCTCAACTTGTTTCGAAGTGCAGCGCAGACGACCGTTAC
CGACTCAGCTTCTGACCAGCAGGCGCCAGTCTTTTAAACTGACGAAAAGCTCGAACTCA
ACGAAAGACAGCTTAAAGCTGGCCGCAAAGCTGCGCTCTCTGAAACTTGGTCTGAACCGG
GAGCTTTTGAGTGTTTGCAATGAGTAGGTCTAAATTGGTCTAAATTTTACCTTTTTATAA
CTTTTTATGTATTTTATTACTCAACCTTTACTCATGAATATGGTCTAGTGTTGTAAAC
TTTCTTTAAGCACCCCTGACTTCGGCTAAGACGTACAGGTTTCTTCAACCACCGCTTTC
GGCTAAACAACCCACACAAAAAGCTGCTTGCTCGTGCGCCTGCGCGAGTTTAACGATTTC
CCAGCCAAGTTAAGAAGCCACTGGCAAAAATAAAGTCGAACGCGCTGCAGAACTGCGTTGTT
GATTTTTTTTCCACAATTTGTGGATGTGAAAAATATTACAATTTTTGGATATTAATTGTG
>EP78111 (+) Dm PLI; range -499 to 100.

TAACCCCACTAAACACACCATGTAACCCCAACAAACACACCATTAACCATTAACAATA
GCTGTAAGATTCTGAGGCGATAAGCTGGGTTGGAAAACGAAAACCGACCGTGCGATGCAG
CAGGCATTGCAAGAAATACACTGTTAATTCACAGTTCACCGAGTCGAGTATGTTTGTAT
GTATTCGGTTAAAAAAAAGGGAGTTCTTGAAACATGAGGTGGGTATGCAATAATTGCG
TTACAAAAATCTGAGGGCACAAAAGGGTTCTTTAATGCCATTACCAATAGTAATGCAA
AATATGTGTACGTGTGAAAACATTTATTTATTTGCTAATAATTGTAGTTCATTTAGT
TTGAGCACTTTACAGAGCTCTGTTAGTCAGCTAATGGTGAGTGACCTCGCTAGATAGCAG
TGATATGTTATTTTGGTATTTTTAGTCACACTTTTTGGTGAGCCATTTTCGAGTGGGCT
CGCTAGCCTCGCGACCTGCAGTCACACTTGCTCCAACGAACAAAAACCACCGCCGCATA
ACCACGCATCGTTATTTGTTGTGTCTACGCCGTTTAAATCGCTGACAATTAACAACAAAA
>EP78112 (+) Dm OSBP; range -499 to 100.

AGTCACCTTTGGGTACACACATAATTTAATAGTGACCGGAGATATGAATTATTTTACAT
ATTGTATAATTACAAAGAAATTAACAATTACTATTTAATATAAATGTAATTTGATGTAGT

TTGGGGATTTTTAAAGTTAAATGTAGATATAGCAAGGTGTGTATGGAAGGAAAAAATATAT
GGGTTCTAAAAAGTTTTTTTTTTTAAACAAAATCCTTATCGATTTGAAAAATAATAATCATAT
TTCTAAATATTGTTTAAACAAAATCCTTATCGATTTGAAAAATAATAATCATATTTCTAAAT
ATTGTTTAAAGCTTTCTAACGGCACAGTGTGTTGAAAAAGATTTTTTCAGATCGCAGATTAT
CGTTGCCTATCGCCCATCGATATGTGTAGGAGGAAACGCAACCAACCACCTGGTAACACT
GACACTCACACACCTGCAGATGCGCCAGCACACACACAGAACACACACGCACACAGAC
GCGCACTGAACCTCCACTACAGTTTCTTTATTTTCTGCAGGAAAATTAGAAGCAAAACGA
CACGAAATTCGCAGTGAACCTCGCGGCGACTCGCGACCGTAACGTAATCGGAATCTCGGT
>EP78113 (+) Dm L(3)03670; range -499 to 100.

TAAACCACCAGTGATATGGAATACAAAATAACCACAAACGAAATCGAAATCGAAATCGAA
GCGGTTTCATGAAACATTTCAAAGTACGTTGGATCGGAATTCGACGGATGTATCGATAAG
TGCACGATAAGGCCACATTTATGTAATTAGCAAGTATTTGGAATTAACCGAACATGGAA
TATGTATGTGTGAACAGAATAAAAGCAGCTACTAAATAAGCCACACCACCATTCACAATA
ACAATTACGAACGAGGCATTTAAAAAGCTTAAACAATAATAACACGACTCATCAGATTTGC
TTATTGTGTGTCAAACAGAAGTTGGGGGAAATTGTGGAGCTAAATTCACCGTAAATGA
AGGTTTCTTAAGTGAAGGATTTGAATATTCGATAATCTGGCAACGCCAATATACAAAAAC
AACCAGCCCTGGTCAACAATCTGGCTACTCTACCGTCAGCTGTTTTGCGTCTTTTTTCG
TGCTTGCGCTTTAAGGTCACCTCTGAGCACGTCTTATTTTTGTTGGGTTGGCCCTGTAGTT
TTTCACCGAAAAGGTAAGGCCGAAATAAACAGATCGAAGCGATGCATGAGCTTGCGAAG
>EP78114 (+) Dm MIPLE; range -499 to 100.

GCATAGTGCTCCTAAGGAACAGGGGTCTGCTTTCAGGAAATATTTTCAGTGCCTCATACGT
GGATAATGCAAAAGAACATATTGGCCGAAGTAGCATTCTATTACATCACGTGAACGAGA
GTGTATGTACGTGCGATATTTCTTGACGAGCATTGTAACATAATCGGTGGGGTGTCTCC
TATATTTTTCTGTAATAAACATTTTCGATATTGCCGAGCAGACTCGGTTCTGCCTAGAT
TGTGGTCCACTGCATCCAGTTGAGCATCATATAATTTTCGATAAAAATAGAATGTAAAT
ATTTATGTTTAGAAGTTGCGCAGCTCATTGATAAAAGCCCAAGCGCCGTTGCGCACTCTC
TCAGTAGAAACGGACAAAAAGGACATGAAGGCCAAACTGGACGGGAAAAATCGAGAGAAC
AGGCTTTCTCATGAGCATAAAATCCTGCAAGATATTATACATGCCGTGGCCTTTTATGCT
GCTGTTCTTATATCATTTTCAGTTTCGAAGAGTCGTGCAACGAGAGCAGTTGAAACC
ATTGCTTTTAAACAAATTCGCGCTGTGTCTGAGTCTGGAGTTTTCTGTGTGTATAACT
>EP78115 (+) Dm RPN7; range -499 to 100.

ATGGACAGTGGACGATGCTGAGCTTCAAGCGAAAATTTTTATCAGAAAATCAATTTTCA
CTCCCCCTTAGTGTGGCCCTTCGAGGTCAGTATATACCATAAGTGATACGGTCTTACAAT
TATTTAAAAAGAAAGTGTATTTCGAGTTCTGGGCACTTCAAATCCAGATTGAGTTTACT
TCTTGGGATTTAGCTCGAATATTTTCAAAAAATATATAAGTCGTGTTATTGGAAAAAAT
AGATTCAACAATTATTTTACAACATAATTTCTTAATTCTTCGACAAAGTTATCATGAA
ACATCAGTTCTTTCTAGACAGCTCTCAAGTTTTTTTTTTAAATTTAAATTACTTTTCA
ATTTAAAAATAAATTAATAACAAATTCCTCAATTGGCAATTGCACTGTTCTAATTTTCGTC
GCTATCTTGATGGACATCGCTCTGGTATTTTTGGCAATGTAAAAATATGCGGTATAATTT
ATCGATAATTTTGGGGTCACACTGGTAGTACATGACTCTGCGATTTGACAAAAACAAAT
TGAGTTTTGTCAAGAAAATCAACTATTTTTCTGTGTTTTAAAAAACCGAAGCCAACAAATC
>EP78116 (+) Dm EIF-2-ALPHA; range -499 to 100.

GCAACCTTTTAAATGTTCTGCAAAATTTAAACAGATAAATATGAAAAATGAAATTTGAC
ATATGGGAATTATCATATAACATGGATAAAAAAGTGACATATAGATAAAAGAACAACCTGC
TTTTTATTCCTATTTATCAGTATTAGCAATCTATATAACTTTTTGAGAATTTAACTTTTG
GGTCAATTTTCGAATTTTGTAAATATTGCAATAAATTTAAACAAAATTAACATTTCCAA
TTTGAAATTGATTGGTATTTAAATAACAAGCTCGCAAGGGATGGCATTCCACATTTGGA
CTATTATTTGCAATGTTCTGATCAAAATTAACCAACAAACAGTAAATTTGAAATTGACC
GGCAATCCATGTGACAAACAATCGATAGACCGCTGCTGCCCCACCTTTCCAGTGTGACCA
GAAGCAATCCAATTGGCAACGTTTTTGGCGGCTACGCAATTAATATCGATAACCAACTG
TCATACCTTACGCTTCTTCTTCTTGCGCCGCTCGGCAGAAATTGTACACGTTTTTCATT
TCGAAAAGTCCAAATTGCCATTTTTTGGCCATAGACCACAGACTTTAACATGGCCCTGA
>EP78117 (+) Dm SR68; range -499 to 100.

TTCTATTGCTCTCATGCGTCAGGCATTGTTCTTAAATTTACGTTGACAGAGTGCTGAA
ATATTTGAAATTTACCTGCGAACTTGGCCGAAATTGTTGTAACACAGACAGAACGCACGC
TCTTGCGTGTACGCCAACAAGTTTCAAAGGGGGGAGCTTTGATGAGTTTCTCAACACTA
CTACGAATAGGGATGCGCCGTGAAACTATCGATATCAATAAGTGGGCTTGAATTTTCGTA
TAGCATGTTTATAATTATTTATGTTTTGTGAGTTATTTTACATAACATAAGTTTTAT
AATGTTTCAGGGATTTTATTTAAAGTAAGCTTAGTGACAATCAAATAAAATTTATAACTT
CTATCTCTCAATATAGGAACATGTAATTTCCGAACGATAATATATCCTATAAATAAATA
TAAATATATATCGCACAGAGCCGCTCTTAATAATATCGATTATTTAGTGTTTTTGACAA
TCCCATTTGGAATTGCAATCACTAATTTTTACACGTCGTTGATTTGTGTCGACTGCTAAGA
AAATGGTCGTGCAAGAAGATAATCCAAATACTGGGGACGTTTCAGGAAAAGACGGAGACTG
>EP78118 (+) Dm CG6666; range -499 to 100.

TCTAAATCGCTGGCGAAAATGCAACTACAACGACCGGACCGGAACACTGCGAAACGA

CCTGCCACGCGCTCACTCGAACAGCAAAAAGAAATGAGCGAGAAAAAATGGCGAAAGAACT
GCCAACTCGCTTGGGAGTGGTAACGATTGATCCGGGAGTGGCAGCGCCTACTATACACGT
ATCGATAATTTCAATGTTTTCTTCGATTTATTGTTAGTTAAGAGCAGGGAATATTAACAA
GGCGAACAAAATTATTATAGCTATAATATTGATGTTTCTTACGTATATTTATGGCCATTC
TAACTTTTAATAATTTGAGACTGTTTCAGTAAAAAAGATAAATATGTGTAATATTCTCAA
TTGGAATAATATAAAAGTGGGAACAGAATTAATCATATAAAGTAATAACAATGTTTTACA
GTTGATATAAAATCAATACTTTCGAGACTTATTTGTTTTTTACCAACGTAGTGGCATCCC
TGTTTGCGGTAAATATCGCGCAGTCAGTGTACGGTCCCATCAATACAAGTTCGAGTGAAAA
ACAGGGAAATGTACGTAATTTCTGTGATGGCACTGCAAAAACCTGATTTGTGACTGCTT
>EP78119 (+) Dm BCDNA LD23371; range -499 to 100.

TTACAGTTCAATTGCGATTACAGCGTCAGTGTCCCTCAATTCTTCCGAAGAATCAGCCAC
ATTCCCCTGCAGAATTTGAACTTTTAGAGGACTCGCGCGACTCCGTATATAATCGGAAAC
CAGTGGAATTAACGCTGGTTAAGTTTCTCATGAGCAAGGACTTGTGATGTCCACCTGCGA
GTAAATTGAGTATTTAAAAATAACCGTAATTTCAAGGAAACATATGGGAATGGAACGAGC
AAAATGTAAGATTTGAATTCACACAGTACTGAATATTAAATTGATAACTTATGACGGTG
TAAAAAAGGGGTTTAACTATTTAAATTGTGAAATGTTGATTACTTCAAATTAATAA
GTTAACTTCGCCTTTGATATTAATAAAAATACAATTAAGTTGATAATACATCTTTCTCAC
AATTAAATAATACAGTCACCTCTAAAAAACAGCATTACATCTCTCCCTACGGTCACACCA
CAAACTGCGTGACTGTGTGTGTGTGTGTGTGCGTAGCAGTGCACAGGAAGAATGTGTAATT
GTTACGAAAAGCCAAATGGAAGCGAAATTTGACTGCAATGCATGTTGTGAGTGTGCAATA
>EP78120 (+) Dm CYP6-LIKE; range -499 to 100.

CTGGAGAGTCTAATTCTCCTGGATCGCCTGCTCTACCTCAAGGAACCTGGCTATGAACGC
AGCTATCTGATAGATTTATTTGATCCCGTCATTTGCCCCAGGCATTTTGCAATTGTTTCT
ATAAAGCAGCAACGCAACAATAATGAAATTCACAAATGCATCAAAGCTTGACGAGAAA
GCCGGTTGTGTTAATTATTTATAGATTATAGCGTGCAATACTTTTCATATCGTATATGT
ATTGCGTTAACGCTTTTAAAAATCTAACTAAACCATAGCACACAAAAGTAAATAAGGTT
GTTAAACTAAGAATCATTATAATAAATGTAATCATGACTTGTAATTATCTTAGAGTCCC
TCTGGATTTGCTGTGGTTTGTGTGCTATTTTAAAGCTTTTCCACCACACAGGTGAAT
TTATAAGTATGCACTTGAAATTGCTATCTCAGAACTTTTGAGACTTTCGAGTATAAAAAAC
GCAACAACATTTCAAATCGCCCCAAGTGCGGTGCGTAGAGCTTTAATTGTGCGTTGTGT
ACGCGGGTGCTCAGAATTTATAGATCCAATAAAAGTTTCCTTGAAATTGCTGGACAACT
>EP78121 (+) Dm RPL40; range -499 to 100.

TTATAACACCTAGTATTCAATTTATTGTTCTTAGTAAAATGGACAGCAACTTGAATATTTT
TGTTAAATTCAAAAGGTTTAAATATCTGAAAAAATATTTTCATAAATTCATTAAAAATATA
ATTTAAATCGATTAGGCGGTTTTTCAATAAAAAAATATGCGTAATATGTAATATTTGA
ACCTTATCTAAAATATAATTTCTATATACAAGTTTTGATTTCAATTTATTTGTATACAATG
CAAATAGCATTTTCATGCCATAATAATATAATTTGAATTAGCTTAGCTATCAGTGAGGT
AGCGTTGGGCTATAAAAAACACGAAAACTATATGTTGATATTGTAAAGTTGGTCTCGG
TTCAAATGGTAAAGATATTTTGCATTAATTAATTTGAGTGTCTGAATATTTTTTACAGTT
CCATTTAGAATGTTTTGGTATTTAAAAAATAGTATTTTGGTATATTTGCAGTGCTCGGCG
GCGGCCACACTCTTTTTCCCTTTTTCTTTGAATAGCATTTGGTTGCACGTTTCTCTG
GTGAGTTTCCATTAAATATATTAAAAATAAACGAAAAATCGCAATAACGTGGCAGAATGT
>EP78122 (+) Dm SRP54; range -499 to 100.

GATGCGGCCACTGTGCTGTCCGACATCGTGGGACAAGGCGAAACGCTTCCTGGCAATCTG
TCAGTCCTTATTAACAAATTTCTGTTGCAACTCCTACAATCTTAAGTTGGTATTTGTGAA
TATTCGATGCTAGTGCGGCCGTTTGATTATCCCGATAAAACCTATTTCTATTTCTCCAA
CGGAATGCGGTACACTGTGCGCCAATTTAAGTATTAGCTTAATGATTATTATTTT
CATTTATTTTATCGAACTGTAACGCATTAGTGTAAAGCTTCTATGAGATTATCTAACAAT
TTGCTTTTGTATATATCGTATATGATTTGATTTTCGTCAACCTAACCGTAAGTAATTA
CCGATGCCAAAATGAAAGAAAAGAACTTAAAAAATCCCAAACCTGGCGGTAATTAAGAA
AGTTGCCAGAGTTGCCAGATGTTATCGGCTTACCGCAAGCAATCGGCCAACAAATCGAAAC
ATTGGGACGCGTTGCAACCCTCTCTTTTTTTCGCTTGCTCTGTAGGTTAATTGAAAACA
CTTTTATTGCAAATAAACCGCTTGCCGAGCCAAGGGCAAACCGATAAACTGGCAAACATG
>EP78123 (+) Dm BCDNA LD08201; range -499 to 100.

GGATCGTCCACCGATCTACCAGCCGCTGACATGGTTTCAGTGCGGTCTAAATCACTTTTA
ACTTATCGCCTGCGATGCAAAATAATTGTTTTCGTTTCGTGCCACTGCGTCTGTGTGGGT
GGGTGTGTGTGCGTGTGTGTGTGGGGCGGCGAGTGTGTGTGTGTGTTGATGGAAGAGAG
GCTGATGTGGAATGGTGTGACCGTAGTGGGTGCGTCTGACTAAGATCGCAAATAGTGTGC
GATTGTTGGCCCATGGTTCTGGTGATGGAATAGGTGCGAAGGAAGTTGGAAAACATTTAT
AATATCCGCCACTAAAAGACGTTGGACAGCAGCACACAAACGTACATACATAGCACCTAC
TCGTAACCTTAAACGACGAGTTTTACAGTGGTTTGTGTACGTTTGTGTCTCAGCGAT
TTTGAAGACAGCACCGCACGGTCATACTACACAGCCATCGATAGTTGCGGAAAACATC
GATGCTGCGAAAGTGCGATAGTATCGAATAAACATGAGTGTGTGCATGAGTGTGGGAATT
TATTAACAAAAACGAAACGCGGACAACTATATTTATGTAATAAACTAAGCCGCAGC
>EP78124 (+) Dm CG3246; range -499 to 100.

CTTTGCCCAAAATGTGGATGCTGTGAGCTAAAAAAAACCTTTTTTTTAAATAGGCTAAGA
CATTTTTTTGAATAGGCTAAGACTTTTTTTGAGCATGAATTTTTTTGAGCACGTGAACCT
AGGATTAAGAACAACAATTCAAGTAAGCCATATATACCCATATTATATATGCGAACATAT
AACTATTAATAATATTCAAATAAAAAATGAGCATTGCTACTACAGAAAAATGCGCGATTTTC
TTTGGGTTTCAAACCGTTTTTGAACCGTAACACTCTTTCCTCATGCAAGCTGCTAGTT
CATGATTTCTAGAACATCGTTCTGGGAGTGGAGTGAGTTCCATGAGTGCCTACAATGTG
CTGGCCGCTTCCGCTCACTTAAGTCACTCAATCTCAATCCGAGTTTAAATCAGCAGCTCC
GCGAGCAGAGTCGCCCTTAGATAAGCGGATCGCCGCCTGCGGCTCATCATTATCTTTTGA
TTAACGCGCCAGTCGACAGTGCCTGTTTGTCCGAGTAGAGAACGGAGGCTGGCGCGTTT
TCTTCCATTTTCCAACGTATAAGCAGAAGCTCCAGCTAATCCCCGAAAGATGAAGCCGTT
>EP78125 (+) Dm BCDNA RH05411; range -499 to 100.

TCGGAAAGTCATTAATTTGAAACCCGACGGACTCACAAAACTTGAGTCATGAATAGAC
GATTTTAATTAATCTTGGGAACTAAACAGTGTAACAGTAATTTTGATAAAATATGACTA
CTTTTATAATGCACTTATATCGCAAAGATTCTGAAAACGAAATGTATAAATATATTATAC
AAGCAAAAGAGGAAATAAATGAAATTTGGGAAAAAATCGGACAAACCCACTTCCGAATGA
CAAATCGCTGCCTAATCGTGTCTTACTTTATTCAGAACGTAGTTCTAGATTTATTTGCTA
TTCCGGCATTATTTTCAGTACAAACACTAGCACTAGCACATAGTACTCGAAGTCTCGTCT
GTTTATATACCAAATTCACGAGCACTCGTTAATGAACCGAAAGTTCATGAGCATATAGAT
AAGATCCCCAGCCAATATGTAGTTCCCATCTGCCGATCGGCATGGCGTATATAACCTAGT
GCTACACCTCCGATTTCCATTAGTCTTCCACGGAAGCTGGGAGATATACATAGTTTCA
AAATCGCAATCAGTATGAAATTCATTGCTGCCGCTGTTTGATGTTCCGCTGGTGGCTG
>EP78126 (+) Dm RPN12; range -499 to 100.

ATCTTCGAATTCACATGATGAGCCACACAGGAGAGCGACCGTTCCCATGCACCAAGTGCT
CCAAAAGCTATTTACGAACACGCAACTGCGGTACCATCTAAAGACCCACAAAGAATGAG
AGTTCTGAATCGCTTAATAATTTAAGTTATTCTTGACACAAAACCTTATGCCCAAGGTCAA
ATAGACGTGATTTCAATACCCGAAATTTTTAACTATACTGAGACAATCACTAATTGAATA
AACAGTCCGAGCTTAAATGCGAAAAATTTAGATTTAACTCCATTAGATTAGTTTGTTAAAA
TATATCGATATTAAAGCACAAAGGAAATACAATACCCCTTGATCAAATCATAAAGCTTT
CAGTTGTAAACTGTTAAACTATATAGAGTTCGTCTAAAAAATGATTTTTCAACTTAAAC
TTACACTTAAATAATATTTCCAGCCCTGTGGTAACTTGACAATCGATAACTGTTCCGATA
ACGATTGTCTATCGCTTTACCCTACAACAATTGCCATCTCTAAAAAAAAGCGAAAAATCA
TCTTGGAATTTGCAGAAAACATTTAAGCTTCAATATACCAATCTAAGAATGGCCAACG
>EP78127 (+) Dm EG 196F3; range -499 to 100.

GGAGGAGACGGGCACCAGGTCTGCCGAAAAAGGGTGAAATAATAGTTGGTGGCAAGATAA
CCAACCTCATCTCATCGAGCACCCACCTGCCCTGTAATCTCTTTCAGGATTCAGCTTGTA
AGCATCGGAGAGGCGGAGACGCTGGCGCAGACCAGCACCAGAACCAGCAATCGCGGCAGA
AGATCGGTATAGTGATGATGATGGTCCAAAAGCCACACACAACTGGTCTCTTGCCCAA
GCAAAAGTTTAAATTTAAATTTGAGAACTCACCATGGGCGGCAACTGAAAGTATCGCAC
ATTTCCAGCGATTATCGATAGTCCATGCACAAATATTTTTAGCAAGCATAGAAACCGA
CCTAGCGGTGGTATCCACCGATCTAGCTAGGACACACACCGCGGTTTAAATTTTCGACAG
CAAACGTGAGAAAGAGCCCGATAGACACGTGAAATAAGGAGTTCGTTATCGAAGTACCGC
ACGCCCGATGAGATCAGACATCGGCAGACGATGCTATCGATAACGGTCTTGTTATTAA
TGAATTAATTAATAGTCCAAGTTAACTAAAAAAGTCGAAAAACAGCGAAATCGGCGTA
>EP78128 (+) Dm CATSUP; range -499 to 100.

ACTAACTAAAGCATACAAATATTTAATAGTCATTTAAATGCAAAATATACAAATATAAAAT
TATTTAATTGAGTGAATTTCAATCGATGTCGGTGGTTAGCTACAGAAAAATAAGATACT
TTATTTCTGAATATGCTGGGGTGACTTTTAATTGTATTGGTATTTAAAGGTTTAGTTTA
AAATTGAATATATAAAGTTTAGAAAGATTTTAAACTGAAATGTTGTAACGGCAAAGT
GTGAACAAGTTATTTTCTCAGTACGCTGCATAAATTTTAAATGTTTGCATTTTTGTA
AGCATTGACTTGGCAAGCTGTCGGATCTTAAGCTCCGTTTAAAGTTAATGTAAGCAAAA
GCGGCAAAAGTACAACCTTATAATTGAAAATATACACAAGTTATTTTTTATTTGAGCGAAA
CAATCGATACCTCCAGATTTACACGCTAATCGATAACAACGTAGCCAGAAAAAAGCAAA
CACGTGACAACACTTTGGCCGAGTCCGACGCGAACTAAAGTAAAGGACAAATGGCCA
AACAGTGGCTGATTACCAAGTGCAGTAAGTCCAGTTGTACCAAAGCTGGCACTGGTCG
>EP78129 (+) Dm SNRNP27D; range -499 to 100.

AATTGATTTTAAATAAACTATAAATTTTTACAGTGTGTTGACTTGAAAGCAAAAGAATAG
TGATTTAACTAACTAAAAATAAATTTGAAAACGTTTTGAGCATCGTTTATGACAGCCT
AACAAATTAATATCCCAAAAGAAAGTTTTTATGAATTCGCATGAAGGAAAAATATTCTACAA
AAAACTTCAATTTTATAAAATTCATTTAAATACGAAATTTAACGTAACTTCACGTAAC
CGTTACTCAGTTATGGAATGTGCGAGCGAGATGGTGAAGCAGCAGCAAGTGATGTAGCAA
ATAGCAATTGAACGCGAGTGGGAAAAGGGGCAACTATAAAACCGAGAACTTACTTTTAG
CATGGATTGGAACCCCTATTTATAGTACTCTGGATGTCGAGACACACACCTATTTGTG
GTATTTATATTTTATAACGTAAGTAGTATATTTAATTACTAATCAGTATTTTCATGCGGAA
TTCTTCCGCTTAATTCATAGACCGCGCGGGGGTCACTTGCTACTCAAGCCAGGCGAAA
AACTAAAGAAAAATCGGGAAAAATCTTGGTCTGCACCGAATTATATTACTGGTACTTAAAC

>EP78130 (+) Dm CBN; range -499 to 100.

CACATACGCACTGCGCCCCGAGGGCAGCCGAAGGAAGCTCGTTTCTAGTGAATTATAATA
TGGCATGCAGATAAAACATTGAAAGTCAAAAGGCCCTGGGGGACTACAATTAAGCGCAC
CACCACCATAGCCACCCACAAAACGAGAGGGGAAAACATAGCAGTTTCGACATTGGCGG
AAATCATTTTCATATGTATGTTTATGATATTTGTAGATAACTGCAAGTGCTGGCGCAA
GTTTACTCGGAATTAGCCATATCACAGAAAACAAAGCCTATATTCTGCGTATTTTTCTCG
CATTTTTTTTTTTTTTGGCCGACGAAATAACACATGAGAGAAGAAAAAGCCCAGGAAA
TCTCTGGCGAAAAAGAAAAACAATTCAACAGTTTGTGCCAGCAACATGTTGCCAACGCG
CTGCTGCAACACTCTCCTACGCTCTCTCCGTGTTGAGTTTTTCACTTTGATAAAAGCAA
AGACCTGGCCATAATCGAAACAGTCTGCAAAGGATTCTAGGCGCCAGCGTTCTCCAAAG
ATAAAAATACCGTCAAGTATTAGGCAACGGCAATCGTCGCGTGCGTTTTAACCAAATATAC

>EP78131 (+) Dm LAMC; range -499 to 100.

GCAACTCAATGAAGATCTTATTGAAGATTGGAATGCATCGCTGGGATTCCGCCTAAAGGT
ACAGTGCAGCTTCTTTAAAAAGAACACTGTAAGTTTAAATGCTAGAACTTAACAAAAACAT
GTGTTTCTTACAAATTTCTTTCATTTTATTTAAACACGATTTTCAAGATTTTTAAAGA
TTTTCCAGAGAAGTAAACAAAATGTAAAGAACTCGTTTTTGGGACCAGTTGGTGTGTTT
GTTAGTTGTTGATTTCTATTAGAGTTCCAGCGGCACAAACAGCTGTACATAGGAAAGC
ACAACAACCTCTTACATATGCGAATGGGAAAGCGAATATGGTGGAAGGCGAAACAACAATA
ATACTAAAGCCAAAAGGTGAGAGCGGAAAAAATAGAGAGAGCAGCGCCGATTCTGTGTTG
TATTTGGTTTTTTATGACCGCCGCCGCGCAGCAGCTAATTTTGTGATGATAGCCGTT
CGTTTCGAGTCAAAGTTTCAGTCAATTTTTAGTCGTCAAAGCAGGCGGACGTCCAAGCAA
AAAAAATTCAGAATCAAAAATATTGACAGTGACTTGAGAGGATTACGTACTTAACCTAGC
>EP78132 (+) Dm CG10155; range -499 to 100.

GGATTGGTGCCTGCTGGTTAGTGCAGGGACATCGAAACGCACTACGATTTCTTCTTGGT
CTTTGTGCGCTTGGACAGCCAGGAGGATAAGATTATCAAAGAAATTCAAGGCTACCAGGC
AATACAGATGCCTGCATGTGGATTAGCTGCACCGAAAGATGTTGCCCAACCAATATGAAT
AAAAGAATCGATTCTTAGCTCTAGCTTACCAAATTGTAGTTTTCTAGAAATTCCTGTTA
ATTTAAAACTATTAATGATCCACAATGTGATACACAAAAAAATTTGAAAAATTAATTT
TTGAATAAAGAAAAACAATACGAACATTTAAAGTTTTGTCAATATTACCGTTTTCAAGAAA
TCCGCCATAAATTAACCCAGAGTTGCAAAATCAAAAAGCTAATTTTTCGTTATATG
CATTTATATACGTTGGTATTTTATGTGGAGTTTTAGAGTTGGCACAGAGAGTATATTTAT
CGGATTGCTCCACGGTCACACTGTCTCTTAATTTTTTCGCCGTCGCCGTCGTTTGT
GGAAATGTCAATTGTTGTGAATATATCTGCTTAATTGTAACAAAAACGCCCAATCGGAAAA
>EP78133 (+) Dm ED; range -499 to 100.

GTTGCTAAAGGCAAATTGAATTTCCATACAAAATTGCTTCTATTCTGTTGCTGCCTTAGGC
TCATTTTTACCATTGTTGGTCCGTTATCGACGAAAAAATATAAAATATATAAATACGCAT
ACAATGTTTTTAAACCAAATGAAACAATTTTTTTTCCAAATGGGTTTACTTCTCCTTA
AAAGTTACATATAAAGAAACTACATGATGATTTAACTTAAAAACAATTTTAAATTTAT
TTCAAATTTATTGGTTCTTTTGTGAAACATTACATGCCTAAAATATAAAGGCAACATT
TATTATTTGTTTTCTGAATATAATCAAACCTTAAGAGAAATTCGCTATTATGTTCTCTTAA
TAAAGTCGAGTCAAACATGTTAGCTTAACTTAACAGCGCTGTTAACGGCTCTCATCAA
CGCGTTTCGACTCGAAGTTGTGCGGACTGTGTTGTGGAACCTGAATTTTGCAGGCTGCGGCT
CAAATTTTCGTTTCCCTTTCTCTGTGTGTTTTCCATTTTCGGATCGAACGCTTCGTGGAA
AAGTGAGCGCGGTTGTCTGAATTTCCGCGCGGTTTTTCGTGATTTCCGCGTGTGTGC
>EP78134 (+) Dm IFC; range -499 to 100.

CTTTCGGGGTATGGCCAAAAAATATATGTTGCGGCTATTGGGTGTATAGCATGAGTTGA
TATAGCTGTGGATATATACAAATGGGTGGTATTGTAGATTATGTTTAAACAAAGCGGAAGT
AAATTCCTTATCTCAAAACAGTAGAACGAAAAATGGCTGTTTTTGAAAAGTTTTTATGTAT
CTGTTACGTACGGTTTGGTTTAACTCATATTAACCCAAACCTTTTTAGCCAATTTTATA
AGCTTTTCGCTTTTAAACACAGCTCTCTAAGCAAGATGAGTTCCAAAGTTAACTAATTTT
TTAAAACTTTCAACACCACTCCACTGCATATACTTTTAAACGAAAGCGCAGTGGGTAAAG
TTGCATTTCTGTTAAGCCTTCACATCAACTTATCGTTGAAATTCGTATAACAAGCTATCG
ATAATCTATCGATTGACTCGCAGCCCTATCACGTGAGGTGATTAATTTTTCAATCCG
CCCAGTTGGATGTTTGGACAGTTTCTTCTCGCGCCGTCGATAATGTTGGCCAACTAA
CACCGACCTGTAGCACGTACCCGTAATAACCCATAACCGCAACCAAGTCAAGCATCCAA
>EP78135 (+) Dm CG10219; range -499 to 100.

TTTACCGAGCAGGAGCAGCGACACTAAAATTTCAACTGACTGGCCTCGTTATCGTGGTCT
TAGTCCAGGTTAGGAGTTTATTAGCTTAATAATATCAAAAGTATTTTTTAACTATTCCAT
CCAACGAAATTTACAAAAATTTTACAACCAACATAAAGTCACTTTTAGGAGCAATTGCGT
GCCTTAGAATGCGAATTTTAGAAAGTTTTAAGCAATTTTAAACTTAGTTTGAAGATCA
TCACAATTTTACGTGTAACAGCCATTCCGTCCCAAACGAATCTCAAATGTATTGTGCAA
ATAATTAAAGCAGTTAAATAAATGCCTTGAACATAATGTTTTCTTATTATTATTACACC
CTTTAATTGTTTGTGAGTTCAAAATATTTTACTGGGCTTCCCTTATTATTGTGGGACAA
TATCTTGACCGCTACTGTTTACCGATAACAAATCGATGACAGCTGACTGCACTAGCCAG
TGCTGTGTAATTTTTTAGACAAATCGGCCCAAACCGAACGGAGCGATAGAGTTTTTATT

TGAGCTGAAAATTCTCAATATTTACACATCCCAACATGTCCCTCTCGTTGCTTCTGCGTG
>EP78136 (+) Dm CG4250; range -499 to 100.

TGCCGGCATATGTATTCTTCAGCACACCAATAAAAGGGTTCAAGGAAGAAACGAGTGGAT
TTTACCTGGGGTTGATTTGTTTTAGAGACAACGCAATTTCTTGAGCAGAGTTGAGTATTT
CTTATGTTTTCAATAAATATGCAAAATTGTTGTATATACGTGCTAATAGCATAGCTGGAA
GGACCATTTCCGAAGGGTAAAAGCTACTGGTTTGTTCCTGACAATGGAATACCCTACT
AAGTGCTAACATTTCTGTTTTATTGGTAAGTTTTGATATTAATTAATTCATCATGGCTGA
GCAATTTCTTACTAAAGCTTTTCATCCTGCAAAAAAAAAAAGAACACTTACTCATGTAAAA
GCCCTTATTCTGATAGCCACATAATATTTAACGGAAATCGCTTAGCAAGCCATCCGACAT
AGTAGGGCTATATAGAATTCGCATCGCGCCGCAACTCGAAAGTTCCGCCGAGCAATGTTGG
AGGAGCTCTCTCGCGTTTCAGTCGCTGTCCGCAATTCAAACGCGTAGCACACATCGGTCTG
GAATAATTAGAATGGAGAAGAACTTTCAATACGAGAATATGCAGCCTCAGGCTCCGGGTT
>EP78137 (+) Dm TFIIE-ALPHA; range -499 to 100.

GAGGACGACTTGTGGATTATTTTCACTCATTCTGCGGTCAAAAACATTCAAAGCAAAAC
AGCGCTCAGATGCGAAGTTGTTAGTAAAGCCATTGCACAAACATGTAAATGTAGTGC GTT
CAAATCTGGCAAATTCGTTAGTAGTAAAAAGTTGTTAAAGGTTATTTGGTTTCTAAAAA
AATTGTTAAATGTATAAACACATTTCTACAAAAATGCTTTGAGTTAACAAACACATTATT
GGTTTAAAGTAAATATAGCTAAATTTATTTTCGTATTATTAAATTTCTCGCTAAATTAATG
TCTCTAATAAAATGTTTTTCAACGCTACGTTTTTGAATGAGTTTTTCAAAGTTTGGTG
TGGCAATGCCCTAAATTGTGCGGGCTAAAAATCGTTTTGAAGCGTAGCTACCCTTCTATC
CAAGTGTTCACCTAAAGGCGAGGCTTATTTAGGGGTTTTTCGCGTTGCTTCGAGGACTTT
CGAAGGAATTTCTTTGGCCACATTGCTGCACAAAGAAGAATTTGGCGGTGGAAATTTTAT
TTTTGCCGTGGAAAATCATACGAAATACGGGCAAACAGCGAGCAGATGACTGCCGGTAGA
>EP78138 (+) Dm CSN1B; range -499 to 100.

GTGGTGCGCTTCTTCTCTGAAATTAGGGATGGGAAAAATATATCAATTTATCGATATAT
TAAAAATAATGTAAATATTTATATCGTGATAGTTTTTCTATGATATATCAAATATCGCTC
TTTCTGTAAATATTTTATTGGACACATGTGGATTCTAAAAAACTGAAAATAAGTTAT
TATTCTTAAAGGATCACTAAATTATTATATTTATGATGAAATATCTGATGATAAATGATA
ATATATTATGAAATGTCAAGAATAATTTGTTTGGGTACTTTATCATTTTGATAATTTTTT
TAAATGAAAAGTGTCTGATAACGACCTGTAGTCGCGGATTATAAAAGTATTTGATATCGG
AACTTAGCCTAAAACCAACTATCTTTGTTAAATATTTTTAACTGATATCAGTGTTATTT
TTTGTATATTATTTGTTGGAAAAGTGGAAAATGGTCTTCTACCATACAGTTGTCTATCTA
TCGATCAAAAGCGTTGTTACATTGTCCATCTCTAGATTATCGGTGTAATAAATTTGCG
AATCGGAAAAAATTAATTGACGAATAAACAAAAACGTAGCTTAAATTTTCATTTTCCCTG
>EP78139 (+) Dm KATANIN-60; range -499 to 100.

TGGTCGCTTTTCAGAGCCTTTTCCAGGGTGGCGCGGTGGGCGTTGTCATTGCGGCACCG
TCGCTTGAGTGGTGTCTAAATTTAAATGAGTTTAAGCACGTTAAGCCGAAATGTTAAGAA
CCGATAACCGATGACTTGTCTGTAAGTGGCTTATCTATATCACAGCGATGCCAGACTGGTG
TTACAGTAGTGCAAATGTTTTAGCGATTAATATAGCTTTTATTGCAGTGGCGCTCAGGGA
TGGTAATGTGTGGCTCGGAGACAAATCTAGAACTGGAAAATATACTTACATATTGTATA
TTGATTTATAATCGATAGACACGATACGGAGATTTTCTTTTATTTTCTTGTAATTCGTT
GTAAATTTAGAAATATATTTTTCAGCAGCTCTGGAAACAATCGATAGTCGCCGACTGTTGC
ACACAGGGAACGCAACAGGGTGGTCAAGTGTCCGCGCCGATGTATCGATAAGCCCCGCAT
CACCAGAGCAGCACATCACTAGTATTACAAACACAGGCAGGCAGCAGTTTATTTTAGCT
ACCGCAGCACCTTAAACTCTGAATTAATAGTTTACGCATTCATTTTGCCTCGGAACGC
>EP78140 (+) Dm CG2938_1; range -499 to 100.

CACTTATCTTGCGTGCGAAGAATATTTTTTGAAAATGAAAATGTCCGAATACAAAAATT
TCGCTTTGTTATGGACTCTCTGATGTAGATTTATTCCTATTTATTTAACTTTATTTCTAA
TTTTTTTCTATGATATGATAATTTTTAGCTGAAAAATAAATTAAGTATTGTAGTGCC
TTATTCGATAAATTAATAATTGATATTTTAAACGATCCTCCCTTTTCGACAGGAATGCTGAG
AGATCATCTGTTGTTATCGATAGTCTTGTATTGCGTTGGAGGGCAATAGACGCGGCTGC
CTAACGCGCGGCAAAGCAAAAGCTAATGCTTAAATGGTAAAAAATAAATGTATATTTGC
TATAAAGTATAGTATTGTGTTTTTCGAAATTTGATAATTGATATTATTAACGATCTTTCC
CGTTTCGCCACCAATGCAGACAAATCAGCTGTTGCGGTGTCGATAGTTTTGTGTTGTTGGTG
GCGGTGATAGACGCGTTGTCTATCGGCCGGCGAAGCAAAAGCTAAAGGAAAGTAAAT
AAAAGCCAAGCAAGAGCGAAACGCAAGCGATAGGAGGAGTCGGTCGCTGCCTAAGGAAC
>EP78141 (+) Dm CG2938_2; range -499 to 100.

GTAGATTTATTCCTATTTATTTAACTTTATTTCTAATTTTTTCTATGATATGTAAATA
TTTTTAGCTGAAAAATAAATTAAGTATTGTAGTGCCTTATTCGATAATTAATAATTGATA
TTATTAACGATCCTCCCTTTCGACAGGAATGCTGAGAGATCATCTGTTTCGTTATCGATAG
TCTTGTATTGCGTTGGAGGGCAATAGACGCGGCTGCCTAACGCGCGCAAAGCAAAAGCT
AATGCTTAAATGGTAAAAAATAAATGTATATTTGCTATAAAGTATAGTATTGTGTTTTT
CGAAATTTGATAAATTGATATTATTAACGATCTTTCCCGTTTCGCCACCAATGCAGACAAAT
CAGCTGTTCCGGTGTGATAGTTTTGTGTTGTTGGGTGGCGGTGATAGACGCGGTTGTCTA
TCGGCCGGCGAAGCAAAAGCTAAAGGAAAGTAAATAAAAAGCCAAGCAAGAGCGAAACAG

CAAGCGATAGGAGGAGTCGGTCGCTGCCTAAGGAACAAGCGGAAGTGGGTAAAACATGC
CCATGCAATAGGCCAAATTATCTATATTATAGGCCAGACTTTCCGTCGACACCGTTTGG
>EP78142 (+) Dm RAB-RP4; range -499 to 100.

ATACCATTTTAGAGAGCTATAAAATTAAGACATTACGCGTTTCGGAATTATTTTCGAGG
AAAATTATTTCTTATATAATTTAAACGTTTATATAAAATAATTATAACACCAACTATTTT
GAGCGCAGAAGGAATCCTAAATTTATGATATTTTATAATTATTTTTTATAATTAATTTT
TTTTTTTAATTAATTTTTATACAACAATATAAGGAACGCACTGTTACCTATGTGGCAACA
AAATTTGATCTGCTTAACGTGTTTTAGTTTTTCATTGCGCGTTTATTATGGTAGTAACAAC
AGAATTATTTTTTTAAATATAGTTAGTCCCTAAGTCAAGACCCGATCGGTTTTGTAA
AAGGGTGGAATTAATTTTAAAGAGCTAAATGTGTGTGCAAAAAAGTAGCCAGATT
CGGCCACAGGTCACCACTAGATCGAAGTGGCGGTCTGGCAAGGCTGCTGTTACAGTGGTC
CATCTCTATCGTGAGAATGTAACAAAGCAGCAAGGTGGCAACGCCGCACTCACTTACTC
CAGATAATCTACATAAATAATACAATTGGCAATATTCTTATCGTTTTAAGTAAATAACAG
>EP78143 (+) Dm FUCT6; range -499 to 100.

ATACGATAATCACGTTTCATTTGATTTCCAAAAGAGAAAAAAGAAGATACGGAAGCATA
GGCCCGCATCTTAATTGCACCCGACGCAAGTCTCGGATCTCCGCGTGGTTTGGGTTGCC
GGTACCGGGTGGTTTTCCCGGATATCCACGACCCATACCCTCGAGATCGTCCGAACTT
TGAAAGTAACAACACATCTGAAATTTATAATCATTTTTATTATTAGTAGCATAAGTGC
ATAAAATGTGAAATATTAAGAAAAACACGGCATAAAACTGAAAAACATCCCAATCATCTT
CAATTGTTTTATCACTTCAATGGGGTTTTTGCATTTGGTGTGTTGAATAGGCGTTACATCG
AGAGCCGTTGGAACTAGTCATCGACTTATCGAAAATAATGTAATGGCTCGTCCGAATATG
GCAACGCTCTTCAAGTGGGAGATGTATCGATGTCTATGCATCGATAGCATGGTGTGCTA
ACAACACAGCTCTAGTGCTAATCAAAAGAAAAACAGAACAGGACGGAAATATATAGAAT
ACTTTTGCACTTAATTTGACTTGCCACGACTACCTGGCCAACTCGATCGGCGATATAGAC
>EP78144 (+) Dm HOOK; range -499 to 100.

GGAAGTACGTTTTGTTTGAATAAATTCTAAAATCGCATTATTAATGGATGTACACTTTC
AGGAATGGAGTCTCTCCGTTGACCAAACATTCAAAGGCAGCTACAGGTTGGAGTACGATT
TGAGCTGGACCCCACTGGACAAGATTAAGGAGCAGGATGAGAAGCTAAAGTGGGCGGAGC
AGTGCATGCTAAAGGCACTAGATGGTGGGCGTGGTTCGGCCATGGCAATTGACTTTAATA
TAAGCAATGATTGACAGAATATATTAATAAATTATTTTTATTAACATGAGGTTGTACCCAA
ACTTCGATGTTACTGATATTAATAAATTATAAAAGCTCTAGGGTAAATGTATTAATTTTAA
TTTAAATATTAACATTTATATTTTTATAAACAATACATATTTAATTCCTGTTTAATTTTGT
AAACATGATAAATAATAAATACGATATTTTCTATCGATAGAGAAAGTGCATCTCAATGG
CTTTCGATAGCTGTCTGTCGATGTTTGGTTTTAGTGAACAGCTGAGAG
CTCTTTTTTTGTGAAATTGTGCATATTTTTAGTTTGTGTTTTGTTTACGTTTTCGTT
>EP78145 (+) Dm PPL; range -499 to 100.

GTTGTGCGAAATTAAGATGACTGCTTAATCTTTAGTCTGATCTCAACATTTAGAAGAGA
TAAAGATAAGCACCTGTTTGAAAAATACATTATGTATGTTTGATTTCTTTACATTTTTT
AATATTTCAAATAGAAGCAACCATTTTGACAACCTTATGTAATTGAAGTATTTTTGTGGTG
CACTATTTTCTAATTAATCGAAAGTGCAGAAAGCTCAAATTTAATTATAAGAAATACAGT
CCACCAATAAACTAAATAAATCTTGAAGTTTTCAATCTGCCCGCCGAAATGTTGGGCAGT
GCGATAACCGGTAATCTATTATCGCTATCGATATGCATGCCTTACGCCATTTTTAGGCAC
ATTTTGAAGAAGCCGCTGTTTACTCGGGTCAACAAAAGTTCACGAATTATATTCTGGATT
GTGATAAGCCGGGCAATATTCGACTTTCATCCCGATTGCCGGGCATTAAACGTAGCGTGT
GTGTTTTCAAATCGGATCACTTGTACCCGAAACACCCCGGGAACGGTTGGAAAATTCAT
CTCGCCGGCAGTTGCCTTTTGTTTTGACTGGGAAAATATGGTATTCATAACGAAATTCGC
>EP78146 (+) Dm BCDNA GM10787; range -499 to 100.

CAGGCGGGCGGGGTATGATCAGCGTGCACGAGTCTCCAAATAACTGTGTGCAATCTGTC
CATTCAACATCTTACAATTTTATTACGAGACTGTTGATTGTGCTAACTACTGTTTTTTAG
TATAATTTTATTTTAAATGACCAGTATGACCGCTACTCGAACTAAAAATTCCTGT
TGACAGCCCCCTAGCTTACGTTACGTTTGGCTACACTTCCGACAAATCTAGCTACTTTTT
AACTGCTGTTGGGGAATTTAAGTGCTAAGTTATAAAAAAAGATTTATTTATAGTATCTT
AATATTTTATATTTTTATTTATTTATTTATTCATTATTTTTTTTTATTTTCAGAACTTATA
TGAACACATCGTAAAGCTAAGTTCAGCTATTTCTGATTTCGCTTACGTTATGGCAATCGA
TATTTTCCACCTAACGCCGTAACTCAAGTCGATTGCACGCGTTAGCTCCACTTTGTGG
ACGCTTTAGGACATTGCTCATACGCTCGCTCCATTTGCCAGTCGCCATTATCGATTTGTG
GCAGAGGAAAAATAGAGAATTAATAAATCGCGTTTCAGCGTTAGGCACCGGTTAGAGAGC
>EP78147 (+) Dm CRL; range -499 to 100.

CTTGTAACCTCTTGAAGCCTTGATAATAATCTGGAATTAACGGGTGGATTTCAGATCTTC
GGTGTCCAATGGGTGGCCAGGAGCATGGCCGTCATTTCAACACTCACCTGCTTGATGTGC
ATCTTATTATATGCGATTTTTTGCAAAAAATCGCGCTCTTTTTGTTTTACAACAAATACA
TAAATAATATCGACTCGGGCAGCGACTTATCGATGTTTGGCTTTCATATCGATGTCATC
GATATCCCACTTTGAAAAACACTGGCTTGCAATCGAACCAAAATTCAAATGATATAAA
ACAAAAAATAATTTTAAATTTTACAACATAAAGTGTCCATCAATAATGGTTTAAGAAGC
AAACAAATAATTAATTTAATAAGGTAGTTTGAAGGTGTGAAATACTAAAAACAACGATAGC

CGACGTTATCGAATCGAATCGATTACTCTTGTAAATTCAGTACAGATATATTTTT
ATAGAAAGCCACTCGATTCATTTCGATATAAATAAACACGGAACACCGTTTGTGTTTATTA
TATTACGACGTGTCTGATTTTTGACCCGTGCCGAGGATCTGGAAAGTTCGCGATTGCCG
>EP78148 (+) Dm RIC; range -499 to 100.

CCGGCGGGAATGATGAAAGCTAGAGATGACAGCTGGGCAGTAAAGGCACCGCTATTTCAA
TTTTATTATTCTGGATGGAAACTCATGACAGCTCTCAAAACTATATTTACGCATAAAT
ATTTATACATTTATTTAATTCTAATAATTATGTTTTATTTAAATCGTGTGTGTCGATA
GATTGAATTTAATTTAACAGTTCAGCAACGCAAACGTTTAGAAAACCCAAATGTAATTT
TTTCTGTTACTCGTGGATTTTCATATTTATGTCTATGCGCTATCCATACAACAGAACA
AATTGATTTATTTGATTTAAATGTAAAGTCTCAAAGTATTAAATACAAGTAAATAATT
TAAATTAATAAATAAGCTTTTTTTTTTAAATATCGCATGTCATTAATAATTCATGCGCACTG
CAGTCTCCAGTATCGTCACGCGCCCATCTCGAAGGGAACCAACCCCGACCAAGAAAAAAA
AAAACAAGAAAAATAATACACAATTGGCGACGGCGGTGCAGAGGTTCTCCGTGTGATCCGA
TCGAACGGGACTAGGACCGACACGGACCAGGTCTAAATCCGCGAGGTGACGCGTATTATG
>EP78149 (+) Dm RSF1; range -499 to 100.

ATTTGTATTTTATATTTAAGAACAATAATAAATAAAGTTTAAATCGTAACAAATTTTC
TTTTAATGACTTAAATGATAATAGTCATTATATTTAAATAGTTAAATTATGATAATAGT
TAAATTATAAATTAATTAATAATAATAAATGTTCAATATAATTATTCATTATTTG
GGGTTTGAAGAAAAATAAAAAGTACACGGCTATATATTAACAAACATTTTATATATTGTT
TTACTTTATTTACTTTACTAAAGATCATACAAATATTTATAAAATTATATAAATTAAATT
GACGTATTATTCAGATTACCATGATACATTTCCAGCACAAAGTATAAAAAATAATTAATA
ATACAAGTCACTAGAGCAGCGGGAAGTCCCTTTTTACGGGGCGTTAAACTATAAATACA
TCCCAACACACGTCCATTCTCAGTGTTCCAAATGCGAGGATATTTTTGAAAATTAGCATT
TTTGCAACGAGTTTAAACCACCTGGTCGAAAAGTTGATATAGATACAAACGCTAAATTGT
CCGGTGGTGATAACTTATTGATTATTTATTTTCAAGGCAGCTATCCGATTTGCAGGATA
>EP78150 (+) Dm CG9253; range -499 to 100.

GACAATTATTCAGAAATCTTTTGTTCGGATTTAACGGAATTGTTAATAATAGCATCAAT
AACATTTGTGTATGAAATGTCAAACAGTTTTTATTCGTTGACAGTTCATGACAGACAAC
CCTCTAATTGGCGTTTCATTAATTTAAATTTGCGCGATGGAAAAAGATGTATACCAATT
TGTATTCACCATCTATTTTCAAACATTGTTATATTAAGTGAATATATTTCCGAAACAAAC
TATTTGCACTATAACTAAGTCCTGTAATTAAGATCATGGTTCAGTATGAATGAGTTACAA
ATTTTATTAAGTGTGCATGTATATATCGCACATTAGCTATCGAAAGTTATCATGAATCT
GCACTGTTTTTAAAGACGCAACTATATCGATAAATATCGCAAATAGTTCTATTTCTATTTTA
CCGCTCTAATTCTTTTATTTTCGACCACGTGCTGCTATTGGTAATGTCCGTACCGTGAAA
TTTTTCTGAAACTCATGTAACAAATGTGCGAAACTTCAGAGGACGAACAGACGCGCTA
>EP78151 (+) Dm BCDNA LD24527; range -499 to 100.

TACGTATCGAACTGCATTTAAGCACATGAGTTTTTTATATTTTTATTCAGCACCACGCTA
CAAATGTTTCAACCATCACATATTCGATTTTATGTTTACCTTGTTTTGGTTTGATATGCA
CTTCTTTTATTTAGTTTTATTTTATATATATTAATATTATTTTTTGTGATAATTTAAAA
AAGGCAAAACACTCGAATTAACCTTTTAAAAATAATTAATAAACTACTATCAATATTTAA
CGCATAAACATTAGAGTTTTGAACATGTGCCTAATGTTTGAAATTTGTATTCTATATTTA
ATGTGTTGGTACTTTTTGGTAAGTAGTATAATTTAGAAATTAACATAAATTCAGAGATTCA
ACAGAATTATGAAAATTAGCTAAAAAGGCTTTAAGACTAGCTATATAGGCGGCACTGTTT
CGATGAACTGGTTTCGGTTCGTTGGCCGTACATATAAGAATTCCTCAGTAGAGCAATATGGC
GTTGACTTCGCGTCTGGTCACATTACTGGCATAGGTTTTTTTCGCACAACTCATAATTGT
CGTGAATCCAGGTTTTGGCCCAAAATGACCACAATCGCGGATTTATTCACAAAGTATA
>EP78152 (+) Dm DHS65T; range -499 to 100.

CTATGTTGTCTGCTTTACACCGCTCTTTTACTTTTTTCGTTTTGTTTTGCATATCGCTCTG
CTGCTATCGATAGTCAACTTATGGTTATCGCTCAGCGATTGCTAGGGCTGCAAAATAAAT
GAATATTCAAAAGTGCCCATAAAGTTGGATTTAAGAATATGCAGATTGCCTTGAAAACCTT
GTTTCTATTGAATCTTTTTCTATTTTCAAAATAAAAAAACGTTTGGTGTTTATCTAAT
TAACCTAAAATTGAATATTGCATACAAAAGATAACTATAAATAAGATATTACGATGTTTT
ATGTTAGGTATCATAATTATAGTTGTTTTATGATGATTTTTCAATGGAACATAAAGTT
AATTCTTTAAATATTGTTACCAATAGTTTATATCGATGGTTGCAAGTGCTGCCAGACTC
TCGCAGCGAGTTTCCGTTCCGCGAGTCTGGCAGCGCGGTGAGCTGTTCTATTGCCCACT
TGCGCAGTTCTGTTTTGTTGAGTTTCAATCGCGATTTTGAAGAATGCGGACGTTGACGCTG
GTACCGCGTCTGTTTTGCCAAAATAATTCGTAATAAATATACGCAAAACGCTTAGAAAGTG
>EP78153 (+) Dm CG8400; range -499 to 100.

GGACCGCGTCTTTGATTTCCGCACTTCATGAAGATTAATTGAGCCGCATTTGTATCGCCG
GCTGTGCGGAGGCTCTTTTATTCGTCGCCGGGGTGCGGAGTATAAAGTTTCTCATATTA
ATCACAATTTACAGCTGAATACATTTCCGAGATTGAAGGATTGGCTTTTCAGTTTTTGTGG
GAATTCAGCATTTTTCTTTGCGTGGGCAGTCTATATCCTTTGAGTTCTGATGTGGCGGCG
GCAAGTTTTGCCGCCTTTCAATTTAAATTTAACATGACTTCAAGCGAGTTAACAGAGCTA
TATGTAACAGCTGCAACTCTATGAAAGTAAATGCTATCCGATTGTGAGTGTGTTTTATTG

TCGTCCAAATTAATCAATTTCCAATGAGCATAGGTTAAAAAATTTAAAAAATAATACA
TGAATATATAAAAAAGGTTTGAAGAAATTTATTTCAAAGTGCCGTTAGCAGCAGTAGCGCT
ACTGCGCATAAATCGCTTACTCTCAACTGGTCACACTGACTAGCCACTTTTTCTTTGTG
TAATTTTTTGTAGTGAAAATCAGTAGAGTTTAAAGAAGAGTTTATCGGCCAAACAAAGCG
>EP78154 (+) Dm RING; range -499 to 100.

GACAGAGTGTCAACCGAAAAGGATCTGGCGGCCCAATTAATCAAAGGTGCTCAGTCTA
TTCACCATGGATCTCGATACAAAACAAACGTATAAACAGTTGCTATATCTAGCTTAGAA
ATGCGAACTAATGGGCTTAAAAACATGCAGTTCTATGTGTTCTACTAAAAATGATTGAA
GCACGTGTTAGACAGACTATTTTTAAATAATAAAATACATTGCTGGTAATTAAACCTTT
TAAAAAACCTGTAATAGGTTTTTAAACTCGTGGTCGTCTCATAATGTTTTAAGTTTAATG
TGAATGGCAAGTGGACATAATTATAATAATACCATTACAATTTATACGATTTTTAAATAA
TCAATGGGTTGTTTTCAAAGTGCAGTAATTATGTGCTAAAAAATTAATGTTTCGCGCCA
AGCTACGTACTAAAAATCTAAAAATACCAAGCAAGAATACCAACTGCATTTGTTGTTAGGC
CTTACTCTGGGGTGGATTTATTGAACAACCAAGTGGGTGCACACTTCAAGCTAATTTGG
AAAATCTTAGCGAAAATTCGTAAAAAGTGGTGTGTTGTATTGAAAAGCCTCAGAATTG
>EP78155 (+) Dm SCAR; range -499 to 100.

CAGTTGGAATTATACAAGAGGAAATCAACGAAATGTGCGGAAAACCTACCTATTCAGTGT
GCGACGAAACAGAGATGTTATGCATTGGGGCCAGGGCTGGAGCACTAGTTATCGATCGGC
GGATAAATACCAAAAATACCAATATACATTTCTAAAGTTAATGGAAGAACTGCAAACA
GTAATTTTAAATAACGTTAATAAAATAGCTTATTATGGATAATATAGAGTTAAAATAAAA
TAAAAATAATTGAATATATATTTATATTTAAAAATATTTTATTCTATACAGTAAATAAACA
ATATGAAATGAGTTACTGAAAATTCCTTGCAAAATTTATTTAAATATAGTAATTAAT
ACATATTACATTTAATATAAAAAATACTTTTTCCCCACCGCATCGTGCAGTATATTTGTC
TGATTTTCCGAAATGATGAATCCCTGCAGTATTTTGAACCACAAAGCTTCGGTCACACT
GCAAAGGTGTGGAATCTTAGTTTCCACAAAACGAGCAAAATATTTGCAGTTTTCAAGCCC
CAAATTGGCTAATTAGAGTTCGCATCGGATCGAATTTGCCACCGAACCCCGAAACGGAA
>EP78156 (+) Dm YELLOW-B; range -499 to 100.

GAATCATTGGGATATCCCCATTTAACCAGGCACTCATTCTGTCAGTTAGACAATCGGA
CGACCGGAACATTCCATGATGATAAACCAACAAATTAATTAATTTAATTTCAAATATT
GATTTAATACAAGAAAAATTAATCGGACATGGGCTTGCTAATATCTTTTACATTTATG
GGTCAATCATGAATACACAGTAGGCCTACAAGCTACAAGTGTGGGAGTTTTTTCAGGGGC
TTGTCAATCGCGGGCCACAGCTGGAGATTTTAATGGATGGATTAGTATGTCCATGGTGT
GGGAGCTATGCATAATATTTGTGGTAGCCAGGGAGCGTGCCAAAAACTACTTTAATT
CATAGCCAACGTGCTAATACCGTCTTACGGGCTGACTAATTCAAGTTCAAGTTCGAATTC
GAGAGCCGCTTGAGAGCGGAACCACTCACGCAGACCGGTCTCCAATGGGTTGACTTGTCT
GGCGGCTCACTTGACTTTTAGTTTCTGTTTTCGAGTCTCGACACTGGCGGTTGTGTGCTGCT
CTTTGGTTGATCATAAGAAGGTGTGTTAAGTGCCGACCCGAACCTGTTGACATTTGGTTAA
>EP78157 (+) Dm L(3)NE018; range -499 to 100.

ATTTAGCTAGGAAAGTACCTTTTATCAGTACGGGAAAAAATCTTCGTTAATTTTATACTG
CCAGACGACGTTGTTTTTGTGATGGTTAGTGATGGCAAACCTTTGGTTTGGCGAGCCCAT
TAGTGGTGCAAAAAAGCACAAATCTAACGAACACCAGAAAAACTTGTTCGTGTACGGAG
CAGCATGCACGAAATATCGCTAAGAACTATTTATATAGTGAATCAAGTCTGTGTA
TATTGACAATGTCTAATAATAAGCTTATAATTCTCTTCCACGAATTACAAAATGGATTT
TATATAAAAAATTTAGATCGTAATAGCCGTTGTGAATTATTTAATCTATTGTTGCCACA
TCTTCTTAACCTAAACAATTTATTTATTTTTTTAAACATTTTTAGTGCTTGAGCAGCAA
TAATCAACTCACTCTGCCATCTCTGCTGTTATCGATATATCAAAACAGAAAAACGGTCTG
CAAAAAGTGTGACCGTTTGCCGTGCTGCTCGCAACTTTGACACGACCAAGTTCAAAAAT
CGTGAGATTTACGCAAACTACTAGAAAATGGTCGGTTGGAGCCGTTTGTGTGCGCCGGC
>EP78158 (+) Dm STWL; range -499 to 100.

ACTGCCAGACTTAATGCAATAGTATAGCAGTTGGTGTGGCAGTGCCATTTGATCGCTGG
AGGTGCTGCCAACGCATTTACCAATTAATTAATGACCACCCCTAAATGTTGTAAATTATA
AAAATTATTCAAGAATATTACGATTTTGGTTAAATTAATGTACAAAATAAAATATTTTAT
ATTTGTATTGGCTGTCAAATGAAGTTATTTTATTTTAAAGATAAATGCTAACAAATCTTAG
AGAAACTGGAAAAACAAGGTTGAGCGTTTTGAGAATTATGAACAACGCGTAAAAACATT
ATTTATAACGTAAAAAATATTATAGTCTAGCCGACAGGTAAAAAATAAATTTATCCG
GGGCCACCTTGGTCAACCCTCGTCAACGACCGTTCGGCTGCCAACTCGCTTTTCCCTGC
AACGCAAGGCGCGCTCTCTGCTCACACTCTCACTTGGCTGTGTGTGTGTGCTCAATACT
CGCTTTTAGTTTTCGCTGCAAGTGGTTCGGCTTTTATGCTCAGCTGCTGCGCGCGTGTG
TTGTGATTGTGTGAATTGCGTTTGGCTTTGTAGCATAACACAAAACCGATAAATTCCTGG
>EP78159 (+) Dm CORTACTIN; range -499 to 100.

ATATTCAGCCGTTAGGGCAATACAGTTAAATAAATATCCTGTTCTTCTAAGCCGTTTT
ATAACTATTTTTATTTGATTTTTATACTATATATAAAAAACCAATTACGTTAATTGTCA
GCCGACATCGAAGCAAATTCAAATCCAAACTATCGATATATCGATGATATGTTTGGGT
TATATGAAAAAGTCAACTCTTATACCTGTTAATTACCGTCTGGCAGAATCTTATTAAT
TATACAAATTACTATGGCGCCACTTGGTATAACATCAAAATACCTTTTGCCGAGCACTCA

GTTCTATTGATCACGATCACATATATTGGTACTGCAGTATATATCGGTGCATTGACTTAT
CGAATAAAGTAAAAAGAACCGACTGTATCTTAAATCATTTAAATTGGGCGCCCTAAA
ACTGCAGCAACTACCTTTTGTCAAGCTCATCACAATAATTTATCGGCTTTTCGTAGCATA
TCGATGCATCCATTGTATCGAATGAAATTTAGTTCAGTTAGTTTCCCGTTTGTGGTCTC
TTTATGAATCAATTGTTTAAACCTTCTCTCCAGAAATTTGCAGACATCCCTAGCGGCA
>EP78160 (+) Dm DIK; range -499 to 100.

CCCCTGGCCATTACAAATTTGTCAACAGTCGCTGATTTGTTAAGTACACTGCTTATCACC
GAAATAGCGCGCATATCACTAAAAAATTCAGACGACGACGGGCGAAATGCGAACGCCAAA
CAACAACAAAGAACTGAACAAAAAGCAAAGTATTGGTAAGCACGCGCTACGCGGCCA
CCAGTGTTGCACAGCGCTGGAGCAGCTCTGTTGTGCACGATCACTGTTATAGTTGCAGAG
AGTATTTTTCTACTATTTTTGTGGATAAAATCAAGTGGTATGAAAATGTATCCATGCGATAA
TGTTCCGTTATCTTCAATTGCTGAAATAAAGTCAAATAAACAGTTTCAATTACTGCTAAA
GTTAATTAATGAAATGCTAGTTAAGTATGTCTTAAATTATAAATATTTAGCTACTCATGA
GAATTTTTTTTGTGGCCCACTGTGCATAACCCGCGCTGTAGCCCATTCAGTATTTT
ACCATCTTGATACATTAGTATTTACCCGCTCTCCGCTACGGTCACACTGCCATATCGACGC
AAAACAAATTGCGATTTTCAACAACAGAAAAGCAGGAAAAACAGCAAATATATCCGCA
>EP78161 (+) Dm CG6540; range -499 to 100.

TAACTGCTTAACTTAAAGATTATTTTTTTTATAATTGCTTAAATAAAAAAGGCAGTACT
ATAACTAAACATGACAAGCTTATTGCCGTCTACGTTTTTATCCGCCCTGGTCCAATAAT
TGCTCCTATAAATCAAATATACTAATTAATGCAATTCAATAGAAAAGTAATTCAATAGAA
AAGTAAGCCAGTATGCATACGAGCAGGTGCACGCATGCATACATGCATAAATATACGTGT
CGTCTTCCACGACGCCAGCCAGACCAGCAAGTCACTGAAAATTTGCAATATGCTAT
TAATAAATGGAAATTGGAAAATTTGGAAATTTAATTTATACTCACAATTTAAACACTTTT
AACCTACGATGCGCAGTAAAGATGGAAAAACATCGATGATTCTTTGAAAAACATCGATGT
TTGTGATTTTTCGAAAACATCGATGACATCGATGTTGGCATCCACCTCTAGCATTTGAC
CCCAGCCAGCTGGTCGCACTAACCGATTACAGCTGTGGCGTCTTGTTAATGCAACGC
TTTTTCGTTTTTCGCCGTTATAATTATTATAATTAATATTTCGCATTGATATGGAGCCAA
>EP78162 (+) Dm RH5; range -499 to 100.

ATTGTAGCCAGGCTTCATTGGCATTGAGAGGCATTATACCAATTAGTTTTAAAAATAAAC
AAAATGATTTGAAAATAAGATATTAAATTTTATAAATAAAAAAATAAATAAAACAACAAG
CTAAACTATTTAATACAATTAGCTGTATGTACTGAATTAAATATTTTGATCTCTAATTTT
GTTAGAGCTACAACAATTAACAATTAACCTAGTAAGCAATTTTTGTGCCTGAAAAATAAA
CATGTAAAGCTTGTAATAATCTGTAAATTTATATAAATAAAGCGTAGATTCTTTGTAA
TTTGTGAATCTAAACTTTTTTTCACGCTGACTGTGTAACCTGACCGCTCAGAAATGCC
TTAAGCTGCGGCTAAGACGTTGGGATTATCCTTCTGGAATGCACACGCACCCCAAGGTC
AAATGGTCACCACTTAATCCGCTTAAATTAGATTCTTTGGCGGGCTATAAAAGCATTTTG
ACGGCACTTGCCCCAGACCATAGGTGACTCGGAGGCCAGAATGTCGACCTGCAAAGGAAA
CTAGATTTTGGAGCGGATCAAGCAGTATGCACATCAACGCCCAAGTGGGCCACAGGCTT
>EP78163 (+) Dm GASP; range -499 to 100.

CAATCACACATATACTCGCGCACACACTGTGCTGTTAACTTTTTCAGGCAAAAATTCAT
TTGCAACCCCCACCTTAAAAAAGTACATAAAAAATATGAAAGAAAAGAAAAAATGCAAA
GCGCAGGCAGCCGGAGTTTGAAGTAAAAAAGATCAATTGACAAATGGTTTGCGCCACAA
AACAAATAGACGTCGACGTCGACTGCGACTGCGGCTGCTTGCCAGCGCAGGCAGCGCTGC
ATACCAAACAGGTAAGCTGAGGTAAATAAAGGTAAGCTAGGTGGGAAAGGCCAGAGAGAG
TGAAGGAGAGAGGTACGCCACGCAGCAAGCGAAAAGCTGGCTGCTACGAATACCGTTGCA
ATGCCGCTGCCCGCGGCGACGCAGAAGCCGACGTAAGCGCCGCTGCGCCAACGACGGCAG
CGACGTTAACGTGTGGATTGTTTCGCGACGTTGCGCATGCGCAGCGGTATAAAAAGCTACC
GCTCGACGAAAACACACACATTTCAAGTCGCGGTGCCAGTGGAGCGCAGTCAGTTCAGA
GTTTTTGAGCTTGAATTTTCACTCTAGTTTTTTTCAAGTGCAGTTCCGTCGGTCCCGATCC
>EP78164 (+) Dm CG6385; range -499 to 100.

ATTGCTTATGTGGGAGTTTTTAAGTTCCGAGAACGATTTTGACTTTTTCAAATTTTCTGCG
GGAAATGAAAATACTCGAAAAATATGTACATATATGTAGGCAACACTTTGTTTAACTTA
TAGAATTTACGTTTTCTTAAAGTGCTTTTTAAAGAAAAGCAAGAGTTTAAATAATCTATT
TATATGAATGGATTAATTGAAACCACAACATATTAGCAAGAAGCATCTGTTAAACCGCAT
CTTTATTGAACTAAAAATTTGCTCAGATTAAATTGTTTTTTGACCTACGTAGCTGCTAA
CTAATTTTACTACTTGCCACGCTCCGAACCCAGATAAGAAACGTGCTGTGACCCTAAAA
CGTGGCCTTGATTAGGGCCTCCAGTCATGGATGGAACGTCACTGGCACAGCAGGTTTATC
AGGATGCTGAACCATGGGTTATCCGATCAATTGAGCGGGAGATTATTATGGCGGTATTGT
GTTTTTAACTCGAGAATTCAGTTGAGATTCTAAAGTCGTCGCGCTCGGCCGTTTTTGAGA
TGTGGCGCCATCGCATCTGCAGCAAGCTTCGCGCCGTGGAATCAGCAACAAGTGAGGG
>EP78165 (+) Dm SCPX; range -499 to 100.

AATTTGTTGTTACCTTCTATGCAGTTTCAATAATATGCATCTGTAAACGAGAAACGTGCA
TACAACATAAGCATTTGGTGGGAATCTCTATCTTTTAGAAAGTCTAATAAATGTAATA
ATGCTTATAAGAGCACTTTCTTGTGTTTATAAGTTTAAAGCGCTAAATATGACAGC
ACTATCAACAGGGCTACCAGCTATGATACACCGCTTTGATATTTTTCAATGCCTCCAAAA

CTGTGGACTCAAATAAGAGGCCATGAGCGTTGCAAAAAATAACTCATTTAATGGTGAAT
TTTTCCATTGACTTGGTTTTTATGGCTATTCAATTTCTTATAGATATTTATTTGTATAA
AAAAAATAAACTGCATTCACTTTATTCAGGGCTGCACATATGTACGCAGGGCGCGTACTT
GAATATTCGCTTCCCTAAATTTTTTGTATGGCAATGTGGTCACCCTGTGAAATCGGTA
TCGATAGCCCGATAGGTTCACTCGTATGAAGGCTTAAGCCTCCTAATATCGCCAACAATC
GCCATTCATTTTAACATTTAGTTAATTGCTCTTGAGCACTAGTTGTGGTATTACCTGTTT
>EP78166 (+) Dm BCDNA RE71975; range -499 to 100.

TGTCTGGGGTATAATAATCATTGCGCACTTTGTACTGATTCCACAAATAGACGTGTAGTT
TCTGTCACTTTAGAGAACGAATGTTAATGATGAATCTACTTCTGACTCATTACACGCCCA
GATCATTCTCAAAGATGTAGTATATTTAAAGGTAAGATACATTTCAATAACAAGTAAATG
TGAAAATACAAAGCTGTGAGAATATTTATTTTTTTTACAATATTAATATGCCTGCATATA
AAGGCAATGCATATGAAACAAACAACACTGACGTACATCCAAAATAAAAAAACAAGTAA
GAAACCGAAATCATAGCTTACAACCGGTTTTCTTGGGCGTAGAAACAATAATAGAAACAA
GCACCAAAATCCACTCAAAACAAAAACAGAGAACGCATTTTGAGACCCAAACTTTGAGTC
GATTTTCATTATTTTCAAGGGGATTTTGTCTGCTGGAGCTGCGCTATTGCCGTTGTTACAACC
ACCAACGCCACACAATTTTCAAGCTGCAGCAGACATCGTTGACGGCGGTTGATAATCGTG
CCTGACTTTAAAAAATAAATCGTTTTTCGAAAAGCAATTCACACTCGAAGTATTCGCG
>EP78167 (+) Dm MAV; range -499 to 100.

TCTCAGGAACATAAAAAATAGAATGTTGCGATTAAGAATGCAACTTCTAGAGACAGAAG
CAGAGCAAGTTTGCCACGCCCTAAAACCGCCCAAACTGCCACGCCACACTTGTGCATT
TTTTTTTACTTTTAGTTTTGTAAATTTCTATTGATTTGTCACTTGTCTTGCCAATCTCT
ATAGGTACACCAAAACACTTTGCCATGCCCCACACTTTGAAACAATTCGAAACAATTTT
TTCTCCGAATCCGATCTGGTTATGGGAAAGGGAGCAAAGCCTATCCTGGGAATGCACGGC
GGGCGGAGTATAATCAAGCAAGATGTAAGGGATGTTGCATGTGAATACGCCTGTACACAG
GTACACACAACGCAACACCCAGAAAATCTTGTGTTTGTAAAGACGTGCATGAGTCCACTGC
AGATGTGTGGGTGTGTGTGGGGGTATGAGACTAATGTTCAATATTGCTGCTGTTAAGTAAG
CATTTGCTGTGGGTATTTTAGTCGAATTTGAAGCAATGTCCGAACAGGTTCCGTATCGAT
GTGTACAAGAATGTTAATGAGAGTGCGACCGAGACGAAAATATATACACATTTTCGAGGA
>EP78168 (+) Dm BYS; range -499 to 100.

AGTTCTGTCTCACGGCGATATTTAATAATTTCTTTTCGATGTAAAAACGTACCAAAATATG
AAGTGGATTTATATATCCAACCTTCACTATAACATTAACCTGAGACATAACAAATATTA
AAAAGTAAATGAGTTTATTAACCTATGAAGATCACTAAATGTTTGTATTAAATTAATTA
TATAAGAATTATGCCAAATAGTACGAAAAATAACACTCGTTATTAATAATACACGAGAAT
GGAGATAATTGCACTGATTCATCAACATGCTATATTGTGCGTTCTAAATATTTATTTAT
GCGACTTTTTAAATACATCTTGAAACGAATTATATCGGTACAATCGATTTTATAATAAAC
TTCAAAAACAATATATATAGATTTTATTGAATTACTGCATTCAATATCGTTTGCGCCACC
ATCCCTGGTCTCACAAGCCTATCGAAAAGCCAGCCCTGCGACGTTGCCACACGTGCGAAA
ATGTGTTTTGTTTTTCGATTCTTTCAAATATCCGGTAACGCCACTGCTTTGTTGCAGCA
CGTGTAGTGATTACAATTTTTGTTGCCCTTATTATTACACTTGATTTTTGACAATATCCG
>EP78169 (+) Dm NGP; range -499 to 100.

GCTCAAATGCTAAAATCTACTATTATAATCGCTACTTGTGCTTCTTAATGCACTAAATCA
GATTATATTATCGTTGCAATAGGCAGGATTCAATGTTTAAATTTATTAAGTTTGCCAAGTG
CAGCCAAAGCTCGTGGCCAAGCGGATACAAATGTACATAGGCACACGGATATAAAACCAG
CTTGATACTTGAACACAGTGATGGTCATAAGTATATGCCCAATAGGAATAGTAGTTCCAT
AACATTTAACCAAAAAGAAAGAGCTAAGAGAGTACTACATGTTTTTTAAATTCATAAA
TTTGCAAAAAATTTATTTAAATACCACATGTGCCCCGTTATAGTTGCATTTAATAAATGC
AAATAATTGTTAAGTTGTACCCAACTGGTGTTTATTACTGTTGGGATTTTAGTGTGGCC
AGTCCTCGTAGTCGATATTTTCTGAAGCGCATTTTAGTGTTGGATACTAAGTCCAGACAG
TGCTGAAAAACGCACGATCCCTTTGTTTTTTTATTTTCATATAAAAAACAGTGTGGTTGG
TTTGATCGTGTTCAAAATATACGATTTGATTATATAAACAAGGCACACGACATTTCTGAGAC
>EP78170 (+) Dm BEST1; range -499 to 100.

GAAGGATAAAATATCACGAACTTTGAACACTTATTATCATAATCTACCTTCATAAAAT
TCATAGATTTATAGTTTCAGGTTTCCCATGAAACAAAGTGCATCTCGTATGCCAGAAAG
CCCAAAAGTATACAATGCTTTTAGACAACACAGGTAAAATTGAGGTAAAGTCGCGCACCTA
ATGAAAGGCGAATCACCTCACATCATTGATAATAATAAATTTATAATAAATTGTACTCGA
AACTATATGCATTATAATTGTACTTAGCTTATTATAGATTATTCAATATTATTATTATTA
TTATTCCTGATATTTATTTCTCTTTTTGTAACCTTACTCCGGCGCCACCCCGTTTCA
TCGAATTCGCCCTGTGCTCGGCTTATCTTAGTCTCTCTTTTCGCTCTCTCTCCGCGAAT
TTCGCACTCGTTTTTCAACACAAGCAGAGAATTTCTGAGAGTGAAATTAAGAAAACGTA
AAACCATGGCGTTCTTTTCAGTTTCACATTGGCGGTCTTTGAGCGCGGACGTGAGCATGT
ATTTCTGTTTGAAGTGTGTGTGAGTGTTAGTGTTTGTGTAAGAAGTTCCGGCGCAACGAAA
>EP78171 (+) Dm ALPHA-MAN-IIIB; range -499 to 100.

CTTAATTTGTCTAAAATTTGAGGAAAGCAGGAATTTATCGAGTATTATCGAATGAATGTG
AGTGAAAGCAAGAAAAGTCGCGAGCTAAGCATTATGGGGCGCCAAATTTATGAATTTCAA
TGATTAATGAAATATGTTTAAATGATCTTGGGGCAACTGTTTACAAAATTTATTGAG

TCATTATTATAATTATTAAGATAACGTTTCTTCGACAAGAATTGCACACAATTTACTCAA
GTTTACAATGTAGTTACCACACAATGGCAAAGTTTTGCTTTTGCCACAAAATAACCTTG
CACGAAGCTAGTTATAACCCAGCGACCTTAGATTATTAATAAAATTTACCCTAAGATTAT
AATAATTTTCATTAATAAACTGCAATCAAAGTTTCCCTTTTGTTCGCATTGGCGCTCAATG
TGGCCGCAGAAAAATACCGCAAAACGACAGTAATAAAAAAAGTACTAAAATGTACACAT
ATGACTAAAACCAACGGCCAGTCGTCGATAAATTTTCAAATCGTTCGGTTGCGGGCGGAT
GATTCTTGATTGTTTTAGTCTTAACAACATTGCCGCTCGGACGCATTGCGGCATTTTATT
>EP78172 (+) Dm ANON-60AA; range -499 to 100.

GGCGGTGAATACCTTTTCAATCTAATTAACAAGATCAAGATTGAATTGCAGTTTATTGAA
ATCATATGTGCCAGATGTATAACTTAATATTGCAATTTATAAGTAGTCCCCGCCTTTCA
ACACCCTCGAATGATTTTAATAAACTGTGAAATCGTTGTTTACATTTTCTACAC
TTCATTAGTGAAACGTATATACAGATATTAATATATACATAAAATATACAAATATCATT
AGCCTTTTAACTATATATAAAACGTACTCTCCGTTTTTAAATAGTTTTGTGCAATTT
GATTTGATTATTTATGTGTTTTTCAATTTAGAATAAAAGAATTCAAATTAATTATTTTA
TTCAAATATTTCAAGGACATTTTCAATTCATCGTTCCTCGGAAAAAGCAACATATTATAA
GTCGAAATACCTCAATGCTTTTGAATACGAAAATACCGCTATCTGCGGTATTAAGTGGC
GAACGCGTAGGGATTTTGTGCTCTTTTGCCAGTCGATGTTATTTGTTAATCGGCTG
GTTATAACACTTTATGAATTAATAAAGACAATTGACAATGCTGCGATCGAGGATTTCTG
>EP78173 (+) Dm BG D507108; range -499 to 100.

TTTTTATTGGCAACATAAAATTATGTTTGTATTCAAATATTTTCTTAGCCTACTACTAT
TTTAAGTACAACATGTAATGCACTTAGCCCCAAACGATATTTAGAGAGCCACAACAT
GGCGGCCAAAATGCCCTTGAAAACTTCAATGTTTCTCATTCTCATTTTACACAAAAA
TATCAATTGGGGAATTCAGCATTTTGTCTCTGTTTTGGATAAGCATTACTTTTACAA
GACTTGGACTTGCAGCTGCAACAAATCGCAATAAAAACTTTTGACAAAATATCAAAGTT
GGCAACGTTGGGGGAATGTGGGGATGGGGCATGGCCAATGTGAAATTGCCACAGGAAA
ATCCCCGAAAAATTCAAGTAGCAAAAGTTTACACACTCAAATAAATGCTGAAACGCGAAA
GAAGATGGGTCTTTTAGGCCCCCCGTCCTCCCTGCAGATAAATCGAAAAAC
ACCACAAAGGAAAAATAAAACCGCACAAAAAATGCCATAAGAATAAACTCAAAAAAGAA
CGACAAACCCACAATTTGCACTGCAAAGCGGCAAAAGTGCTCCAAAGAAACAACCACA
>EP78174 (+) Dm CG11399; range -499 to 100.

TGCCTTCTCTACGCCGAAAGCTAAAGGATGCTATAAATCTGTACGAGCGCGCTATCAAC
CTGAATCCCCAGAAGTCCCTCAACGAGAGTTTGTGGTCAATCTCTCGACGCTGTATGAA
CTGGAATCAACAACCTCCAAGGCGCAAAAAGTACAACCTACTGCGCCTAATTAACAGATAC
AAACCGGATCTCAACATAAGCATAGAAATTTGTCTAAATTTGCAGACGATAAATTAAGT
AGAGATATTGTTAGACATTCCAAGCAAGCGGAACCTTCGGTCAAAATAGGTGAGCCCTTC
TTTGAGTCCACTAGAAAAGTATTAGAGAAAATAAATAATGTTATAGATAGTTTCTATCT
GTTTAATTTAATTACTTCAAATTTAATAGATTATAAAACAAATACAACAGAACTATCGTA
CACGAAAAGTTGCAATGACAAACGATAGTGCAGAAAGAGCAGGCAATCGATACCGTGCT
GCCTATCGCAGCAATGCCATCTCGATTGCTCGAGTTTCGTCGCTGAAAAAGAAAT
TTGAGAAGAATTATTTTTAATTTCAAAGAAAATCGCGGGAATTTTACGCCAAGCGCA
>EP78175 (+) Dm IPP; range -499 to 100.

AGTCTGGAGTCTGGCCAAGATTGGGAGCAGCGGCAGTGGGCCATGTAGGCCAGCATCATT
AATGCGAATCATTAGCAGTGCTCGTGATAAGATCGGGTGCAAATTATGCGGCAGTCGCA
GCTGGAACAAAGCGCTCGAAAAGTCTGGCCATGATTATGATTGCCGAAAGGCGGCGAGTG
CGTAATTTTTAATTGCCAATTAATAATGCTTCAATTAAGATGTGAAAGCTGTCCAAAAG
TCCTTCGAACGTAATTTGAGGGGATGGTCCGAATTAACCTATTACTCAAACACAATAT
TATAAATAAACACGAACAATGCTTACAAAATTGTTAAATGCATTAATTTCTGATAAGATA
ATTAGAGTTCAAATATTTGAACTACGCGCTTGTCTCAGTATTTCCATTTCCAGTGCTTA
GTATTTTACAAAGTGTGCCAGCTTAAACGGCCTTCCAGTGGCTCCAGTTGGCGTTTTTCG
TGGGCGCAGAGAAAAAATACCGCAAAAAAATCACAGCTGGCGTGAAAAAAGGAATAAA
ATTAGAAGAAACCATAAAAGTGCGGAAATGAAAATGGAGCTCAAATAGGCGACAGACGGC
>EP78176 (+) Dm BCL7-LIKE; range -499 to 100.

CGGTTTCGATTACGAAAAAATAAATAAAAAATAAGCGGAGCGTACGCATAATTTTCGTCGG
TCGGTGGAACAAACATCGAAAAACCATCGAGCCATCGAAGTGACATCGTAGCATTGTGATA
TCGATATGTTGTCGATGATAAAGAATCGACAAATCGATACTCATCGCGCATCGATATTT
GCCCATCACTCTCAGATGGTACACGAAAAATACTAGATTATACCATTTGGCAACATTG
GCGTTGCCAGATAATAGAAACGTTGGACTAACAGTTCAAATTTATTTAAAAATTTA
ACGGTTGTAGCTGTTCAAAAAACAAACGGCTAATAATTTAGCTCAGCTCAAAAAATTAAGCA
CTTGAGTTACAAATCATACACGAATTAATAAGCTATCACACTTTAGCACGGACCTTTAGC
CAATGGTCACACTGCAGCCGTGAAAACAACGGGCAATCATTTCGATAACATCAGTTGAAA
ATCACGCTTGCTATCGATTACTTATTTTTGTTGATTAAAAAATATTTTTCGAATTGCC
AAAAAACTGAACTATCCACTGGTTAACTGGTCGAGACCAGCCAAAATCACGAGACACGA
>EP78177 (+) Dm BIB; range -499 to 100.

CATTACTCATGTATGGCGGTAAAACCAACAGGTTGACAGGACCTCTGTTTCGTTTCCATT
CCGTTCCAATGCACTGAGCATATTTTGGAACTGTGAAATCAATATATTTGATATTAAT

GGTTTTGTGTTTGTGTTTGTGCTTCTTCTTGTGCTCCTGCTTCCTCTCCATTTTCTTCTTCA

ACCGGCTTACATGGTCTTGCCTTTGTGTTTGTACTTACATATATACAGCCAAGGGCGCAA
AAATATGAACATAAAAACTTAAATACTAATTCTCCGCATCTCTTAAAGCTGGTTTTAAC
ATTTGGGAACGCTCATATTCAAAAATATTCTTGCGACACATATGCATGTGTATATTAATG
CAGCTCAAAGTTTGATTTCTGTAACATTTGAAAATGTAATACTAATATTTTGGCTTCAA
TAGTGTGTACTGCTGCTTGTGGTAACCATTCAGTAGCAGCTGTTCTCCCTGCTCCCT
TCTTATGCTGCTCTCCCTTTCATCACACAAAACACACACACACGCGCACTCCCG
CTCACACACACTCAGAAAGACGCTCTGCTTTACAGGCGTCGACGTCGACTTCTTTTCT
TTGCGCAGCGATGGTTTTTCAAACGAATTCGAACGCTTAAGCGAACGGTTGTGTTTACTC
CCAAGCAAAGATATCCAAAAAATAAACTGAAACCACAGAGAAATCAAATAGAAAT
>EP78184 (+) Dm CG5447; range -499 to 100.

GGTGGCCATCGGCATAGACGGTAGCGTGTATCGCTTCCATCCCAAGTACCACGACATGCT
CCAGTACCACATGAAGAAGCTCCTCAAGCCGGGCGTCAAGTTTGAGCTGGTTGTTTCGGA
GGACGGATCCGGAAGAGGAGCGGCTCTCGTGGCGGCCACCGCAGTCCAGGCCAAAAGCAA
GCTCTAAATTCGAAGTTGATATTCTTCAAATGCATGGGAAACGTTACGGACAATGATATA
TGAGCACAAAATTATGGAAGAAGAAATAAGATTTAAGGATATAATGGGAACTTTTAATA
TTATCCTTTCAAACCTTAAATTTGTGTCCAGAAATCCGATTTGAATTATGGCGCCAAAGAT
ATAATAATTTTCTGCCTTAGTGGAACACTGCACATCCATAGTATTTTTTAGTACATGCA
GTATTTTTAGAAATATTTTAGAACGATAGGGATGGGGTAACACTATTTTGGTATAAAAGC
CAACTCGCCATCTGGTAACACTTGGAGTTTGCAAACATTTATCTCTCGACCAATTTAAGG
AATTTGAGGCAATTAGGGCATTCTGTGAGCTTTTCCAGGCCAACTGCGATTACTTCAAG
>EP78185 (+) Dm E2F2; range -499 to 100.

CTTTTTAAATTTTAAATTCACCTACTGACAAACAAGCTCAACTCCATCTTCATGGGCA
CTCTTAAGAAAACCTCCAGCTGTGCTATACATGCTCTGTAAACGATCAAGACTAGCACAG
GCGCCTTCAAAGGGTTAATGCTTTTAAATTTGAAACCTAAAAAGACCCAATTTCAATTA
AAGTTGTGCGCAATATTATCGGACAATAAACCTTAACGAATGGCTAAATATTATGGAGTA
CTAAAATAATTATTTATTTATTCGTGATGATACATTTGAAGACCAAGTAGAAAACATTGGA
TGATCTGTGTGTTGGACTGCAGACTAACTAAATACAGAATTTAAATGAAAATTAATTGA
AATTAAAGATCAAAATATTAATAATGTTTACCTGTTTAAATATAGTGTGAAATGTGCG
CAAGCATCGATTAATCGATTTACTATCGTCTGTCGCGCAGCTCGCTTGGCCACTGCGCAG
TGCGCACGAAGAATAGAGGGAGAATGAAAAAATGACATAAATGGCGGAAAGCAAACCTA
GCGCCAACATTCGTATTTTCGTTAATTTTCGCTCCAAAGTGAATTAATTCGGCTTCT
>EP78186 (+) Dm ARP-LIKE; range -499 to 100.

GTGTGTAATTGCAAAATTTATCCGGATAATTGTAAATACGTTTGTGTCGAGTTGCCAA
CGGTTACAATAACTCCAAATAGCCGAGGGAGTAGTGAGCACTTGGACGACTTGGTCAATA
CTGTTGGCGATTACACAGATACGGTGCTATATTAAGGGACTGGAAGAGGATTAAGTCCAA
GACTACGTCACGGGCAACGTGCAGTCGAGCATATTTGCTTAGCTTTAACTAATTTAAATA
ATTCCACGACGCGCAGTTCGTTTCGCAATTCGCGCGTGATTGAAAACGAGCAGGAGTGCC
TCTGCGTAAACGGAGCAGCTGAGCGATCCCCACACCTGTTAGCCAGTAAATTCGGACC
CCGATAGTATGACCATATCGGTTGTTTTCCAATTTGAAAACGTGGCGCTGCCCCGCGAT
AAATGAGTACTTTTATCGATGCTGACCTATCGGTGAACACCCATATCTACGGCCACCTA
ACGCTAACAATTCGGGGACAAAATCAAATCGCATGCAAAGAATTCAAGTACAGTTAATTAA
AGTACGCTCAAGCACAGTCGAAGTAATAACAAAATGAAGACGTGGTACATGGTGGTAGTG
>EP78187 (+) Dm FNG; range -499 to 100.

CAACTTTTAAATGGAATTGTCGTCGCGGACGGTGGGCGGTGGGCGTGGCAGGGTAGTCAG
GAGGGGAGTGGGGGTATATATGACATAGCCAAGAAGTCAACCGCATTTGGAGCGCTGCCAA
GTCAGTTGAACATATGTTTACTTTAAGGATACGGCCGCCACCTGGAAAAGGGACCTTCAA
GGCTGCCTTACACGATTCCGAATCCCCGATTCCGATCAGAAGTGGGCTGAGTGGGGGTG
ACACACGAGCACATGAAAATTGCCTTCGGCAGCTACTGTGGCACAAGCTAAAGAGAGAGG
ATGAGAGCGAGCGCATCGAAGAGAGAGCGCCAGCTGCTCCCATTTGGAGCAGCTAACGTT
TCCAATTGGACGAGCTCAAAGGGAATTCTCTCTCTCTTTCTCTCTCGCTACTCTACC
GCTTACTGGTCTTTCTGGTTTTTGTGTTTGTGTTTACGATTTTTCGCTGGAAGAAGAGAAGAGT
AGATCGCGCTACCACAATCAGTTGCTTTTCAAGCTTGCCACAAGCAAGACGTGAGTGC
GCGTGCTGCGATATCGAAATCGAAATAAACTTAAAGATATCGTAATTTAGAAATCGAG
>EP78188 (+) Dm VIB; range -499 to 100.

CGCAATGGGAAATGATGCCAAGAAGGAGGAAATGACGGAGCCACCAAGCTTATAAGAATT
GGAATCTATTACTACTATTATTACCATTTGGAATTCTAGACAAAATTTGCTTATGTGCAA
ATTACCTATCTGTGTAGGTGTCTTTAGGTTATTTAATTTCAATAAGAATTGGGGGTAA
CCACATTTTACATTTCAAAAACCTATTAATCTTGTTCTGTTCTGTTTTTCATATA
ATCAAATGATAAATGATAACTGATGATCTTTGATCTTATAGATTTATATATAATTTTATT
ATAACTATATTATTCATTAACCTTTTTATAATAATTTTAAACAGCATGAGTCACCCTAAC
AAGCTGCGCACACCTAGATAACCCGCTTGTGCTATCGATAGTCGGCGACGGGCGAGCGCCC
ACCACCAAGTGTGACCAAGGGGCATCGCCGAAATCGATAGCATCCGCCTATCGGAATCGA
AGTGTGTTTGCACGAACATCGAACTTTAGCTCCGCTCCGGACACGCAAGTAGCTAAATAACA
AACTCATTACTAGTATATTACTGCCGCCGATTTGCAAACGCGTACCGATCCCGATACCG
>EP78189 (+) Dm CG15717; range -499 to 100.

TGTGCGTGTGTGTGTGTGTGCGCGCACTTGTGGTCTTCTTTCTGTTCTCCAAATGTTCTT
GTTGTTGCTGCTGCAATATTTGGCAATCGTGTGTTGTTGTTGCTGCCTTTGCACGGGGGCG
TCAACAATGAACGGCGAATAACGAGTGATGTCAACAACCTATTAGCTAGCCGGGGGCAAAA
GTGTTATTTTCTTTTATACGTGGAAGGCGTCAGCGCAGCAACACGACCAATTGCAATTT
AAATTAATAATTGTGATGTGTGGGCAATGTGACCGGTGCTGTTCCGCTTATACATGCCA
GTTATTATTTCCGGTGTGACCGTAGCTATAAAATGCGACAGGCCGTGTTAAATACTGAATA
ATACCAATAACTGGTATTTTAGTTTATCAGCGATCTTCTTCTCTGCATGTGAATGTGTG
TGTGCGTGTGTGTCTGTTTATGTGCGTGTGTGTATGTTTGCCTGAGCCGCTGATAACGCA
GCTGATCGGGCGATTCCATTGAATTCAGTTTTCAATTCGAGAGCATGGCCAGCAACTT
CACCCAGTCCCAGCCGTCCAGGATCACCAGCTACATGGTCAACCAGCTGCAGCCGACGCG
>EP78190 (+) Dm TNC47D; range -499 to 100.

TTGATAGCGCATTTTGAACCTGGTTTATCAACAGCATGATTTACAATAATTCCAGCTGCCA
TCGAATCTGATAATGATTTTCCCGCAGTGTGCGCTAAAAATAGTCATTGTTAAGCTTAGC
AAACCACTACAAAATCGTATTGTAGTGGGTGGATGTGGTTCGGATCGTCTGCTCTTGGTG
GTGATGGTGGTGGTGGCATTGGTGGTGTGCTGCTTTCTGGTGGCCAGGCGCAGTAAATT
CGGCAATGCTCAATGGTTTTACAGTGCTTTTCGTATTTTCTTTTTTTTCACTCCACGAAA
ATTAGAAACACATTTTAAAGATTTCACAGGTTTCGTGTGCGCGTTCACTTCTTTTGTAT
TTCGCTTGGTTTTATTTTCAAAATGCTGCTGAAAACCATAAATTAGCTTGTACTTTTGG
AATGCCTGGCGTTGTGTGTGGGTGTTTCTGGGGTTTCTGGGGATCTCAAGAGCTCAATGA
AGAAGTGGGGAACCTGATTCAGTCGTTAGCGGTGATCGATCTGGTGAACAACCTAGCACAGG
ATTTAAATGGATAACATTGTGAGTGCCACTGGATTATAGAAACCCCTAGGGGTAACACC
>EP78191 (+) Dm CG17019; range -499 to 100.

GCCAGCTCTTATTATGGCTGGCCAACATTCTGGCCGGAGCAACAACGGACGCATTTGTTT
ATGTAATTAAGACTTATCGACAAGAATTTTGGAAAAGCTCAATCATCGGAAACCACATG
TGTATATAACTAATTGACTTGAAGGCGGAGCAGAAGGTAGACCGTATAATATTTAGCAAT
TAATTGATGTATTATTTTAAACAAAATTGCAACATTTTATGGCACTTAACTATTTAAATG
CATACAATTACATACTTAACTGTAAGTAGTGGATGTGAATTAATAAAAACCAACTAAAAG
ATTAAACTGCTTAATTGGATTGTGAATTATGGCATGGCGTATTTAGTTTGATATACCAG
TAAATTAACCTAACATAATAGTTGCTTTAAATGGGGGGATGTATTCAATCAACCGCCA
ATTGCATGGCCTATCGATATTCATATCTGCAGATTGGACCGATAGGAATGCCTCCATGCA
ACCGTGAGACTAGTACATTAAATTGCTATTTTGGTTGGCCTGATAAAATTATAAAAATCA
TCGCAACGCAGTCAGCTGGGTATGATTAAGTGTGAGTGACCTCCGCGCTCTTGAACA
>EP78192 (+) Dm BARBU; range -499 to 100.

CTTGCTAGTCTTTTAAAGTTTAAATTTAATAGAGTCCTTAAATATTGATATTTTTCATCAA
GTTTATGATCTTATTACTATAGTTATTATAAATTCAATGAATTCAATTCAATTAAATTCA
ACCTTATATGGCCCTTTCAATATTACTATTATAAATAATTTTTTTTAGAAAAATACAC
TTAAAAGATATACACACAATAAAAAACATATTAACCTATTTTTCGTAAATCTATTTTTT
ATGCACAGACTCAAAAATTCATCATACCCTGCTTCTCAAGGGTAAGGACATGCTCCTGA
TTCCGAGACCGCTTCTCTTGGCTCTCTTTTGTCTCCCGCTCTCACTGTTTGTGCAACCA
CCTGCAGGCAGTCTGCCTTCCCATTTGGCTGGGTCCATCGATCGAGAGAACCGCGCTCTG
TGCGAGAATTCTCCCCCGCCGAGAGAAACCAAGAGAGCAAATCGTATATAAGGAGTCGG
TCGTGACAGCAGGAAAACAGAACTACTACCAACTCTCAACCGAGTGCAACCAACTAAGATC
CCAAGTTTTATTATAAATCTCAACAATCCTCAACACAATGTCGTTTCATCACACGGGAATA
>EP78193 (+) Dm MRPS31; range -499 to 100.

AAAAAGTAACAGGAATAGCGCAAAAAACAAACGTGTGATTAGTGTGACCGCGGTGGATG
CGAGACTTATTACCAAGTGCAAGAAAGTGGTAACATTTTCGTGTTTACCTTAGAATCA
CAGGTTGAAGAAAGGCTTGATTATAAGTTAATTACTTACAAGGAGAATGTAGAATTCTAT
AAAAGGAGCTTGTTTTGAACATACATAATTATTTTCATAGATTTCCAAATTCGATAATCAA
AGGTCACTATCTGGTGCAATTTGGGCTGCCAAGTGTGGTCAAGTTAATCTATAAAAT
CTTGATTCAAAATGCAATTTTAAAGAACATTTTATTTCAAATTATATCAAAATCAGATAAAA
AACAAATGTCCATGAAATGATTAGGTTAGTTAAGGATATTTTCAATCAAAACACTATAAG
AAATAGGACAAGGGAAGCCAAACATAAAATAAGCCAAATTTAACTATAAACTAGCTTAA
ACGGCAGTGCAACAGTTCATCTGGTCTGGCAACTCTCCGCCGAATTGTTGTACGCGAG
CGATTTCTTTGGTCTTATTTCTAGTTAAAATTATCAAAGAAATATTATAAAATGTTGGCC
>EP78194 (+) Dm BCDNA GM05329; range -499 to 100.

GAAAAATATAAGAATTAATTAATTCAAACATTACATCTGGTTTAATTGTGTTTAAACTTT
ATTGCTGGGTTTATGATGGCTCATAATTATGTTTATTAACATTCCAAATGTTTAGTAAAT
TGGTTTTTTTTCTTACCACGTTATTTTTAATTTTATATAGCAATTTTTTAAACATATTT
ACTTATATATGTGGTTGAAAGCGATGAAAAATAAGTAAATCGATTAAATTGAGATTTATG
CCCTGAGTAGATTTACTTTCCACCATATACTACTAAAAATTTGAATATATTCAAACTA
AAAATTCATTCAAAATTCAGAAAACGTATTACTTCAAAAATAATGTATAAATTATATAAA
CAATAGAATTTTTAAATTTCTTTGGCGCGCTTTGGTTGCCACCTTGTGAGCTATCGATAG
TCAACACTCACGTTTAGTACTTCTACAGTACTACTCACATATACATACACCTTTTGCC
ATTTTTATCATGGCGATTTCTTTTGTGACATTTGACTACGACTGGGCGCACGTGTTTTCTG
GCAAGGCTCTGTGCTAAATCTAGTAAAATCAAAGTGAGTAGTGGAAGTGCGGCATTCTG

>EP78195 (+) Dm CNB1; range -499 to 100.

ATGTGCAAGTATCATATTTTTGTACTTTTGTAAATCGAATATGCTCGTTATCAAAAATTTCG
ACAAAATTCAAAAATAAGTGATTAGTTTGGACCATTGTAAGAAAAAGAGCCCAAGGAATAAAT
ATTGATATTATAATAGATCTATCGCATGTTTCAATTTAAAAAAACTATCAAATAAACCACC
TCTGGGCTAATGCGATGGTCCATCTCTAGCAGAAATTCACAAAAATGTACTAACGCATA
GCACGGTACTACAAGGACTTTCCACCCATAGGCATGCTATGGTTAAGCGAAGAAAACCCG
TTTACGCCCAAACTATGCATTAAAAAGACTAAAAAGATAGCGAAAGTGCACAAGTGGAA
AACCAATTTGCAGCCCCGAAAAAGAACAAAAAAGAACAGGTGGAAAAGCAACAGCTGT
CCGCTTTTGACAGCTGCGCTCTCCGCGCTCTCCACTCGTTGGCGAGAGCTAACGGTGAA
AACTCTCTCACTCGCCTGCAGTCGTGTATTGCTGTCGAGCGAGTAGAGAGCTTTTTTTT
TGGGAATTTAACAATCCAGCGCAACTATTGTTTATTTATGGTAAATATCTATGGCTACCA

>EP78196 (+) Dm L(2)NOT; range -499 to 100.

CGACCAATGTTTTCCGCCGTCTGGCCATAGGTGTCGTAACGCGCTTCTGCTCGTCG
CTGAGCACTTCGTAGGCCTCGGAGACCTCTGGAACCTGCGGCCGCATCCGGATCTCTC
TTGTTCTGTGTCGGATGGTACTTCTTGGCCAGCTGGTAGTAGGCTTTCTTGATGTCCTTG
CCGTTGGCGTTCTTGGCAACGCCAGCGTGGCGTAGTAGTCTTGGCCAGGAGGTGCGCG
GTGGTGTGCGAGCGCGCACTTGGGCTGCGTCTGCCCGGCTACTTCCGCTCCCGCGCTG
GAGAGGATTCGTAGGAGGTGCGCGTGGCGTGGAGAACGCGCTGCCGCTAGGCAACGG
CGCACCGCCGCGAGCTGCCGGAACACGAATAATTTTTTACACGAAATCATATTTTTCCA
TAAAAGTATCAGATTTTCACTTTTCAACAACATGCCGTAACATCCATGCTGTCCTACGA
ATGTCTGTCTCTCTCTCTCACTCGCACTTGCTCAATGTGACCGCGTGGTAGCGAGCG
AAAATACCAACCGCGTGAAAGCGAATGAAATATCGTTATATACCGTTAAAGTTAAAAA

>EP78197 (+) Dm PP1-87B; range -499 to 100.

AATATTCTTATTGGCTTATTTGAATTTCCAATGTATTTAAATATCCCCTTGTTACCGGTA
TATCGAATAGCCTCGCAAAATGCATCAGTCTCCCATCTCTTTCCACAGTAAGTCATGCC
AGGCGTGCTGAGTGCAAGCGGGATGGCTAGTGTCCCCCTGATCAGGCTGCCACACCGCT
GAAATAGAGTAACTGGACGCCATGCGTTTAAATCGATTACTAACAGCAGTTTCGAGCCACT
ATAGGGTCGAGAAGACCGGTTTCAATGAAATATAAAAGTAGAGCTATTGCGGAACTCT
TGCAATGGATTGGAAATGTCCTTAATGTAATAAGAGTAATATTACAGCAACTTCGTTATC
GATTATGCACTATATTTGCATGTTATCGATTAGATAAGATGGCGTCTATTATCTGGCCAT
ATCCGCGACTTCCGGCAGTGTGGCAACATCAGCTAGAAGCAGCTGCCATCCCGCCCGC
ACTCAGCAACAGCATACGAAGAAATTTTCACTTGTAGCTGTGAAAAGTATTTAGCA
GAAATAGATTTTCGAAATTAAGATTTTCGAGGCTATTTTCGCGCTACCAACGATCGTTTCG

>EP78198 (+) Dm ATPSYN-ALPHA; range -499 to 100.

TTTAGGCTGCTTATAAATTATCCCAGAGTTCTTGAACCATATTTATGGCGGCGTCCACA
TATAAATATAGTTAAGTTATCGCAACAGTCTTCAACGATCTTTGGTATTATCAGATGACC
TGATTCCTTGGTATTTTAAATAAGTGTGAATGAATCACATGAATGAATTCAAAATTTT
CTAATAAGATTTCTACAAGTTTAAAGAACATCACCAACCATCGTATGTTTAAATGTCACCAC
CAAGGGTGCCCGTATTACGACATAACGTGACCACATATTTAGGGAATTTTAAAAAATA
AGCATAGAAATTATCTTTATAACTAAAGTCATGTCCACTTTGCTTTGAGTATTAATTTA
ATTTGAGAAATTATATTGCGTGGCGTAAGCTGCCACCACTGAGGGTGACCGTACTTGCGA
CCGGTGTGCCCGCACCGCGCAATCACCAGCACTTCGGCCGTTTCCAGCACTGCCTCACC
GAACGTCTGGCCAGCGACCATCTTGTGAAAAGTACTACGAGTGTGGAGAGGAGTTGGCTT
AGGAATTGTACAATTACTTCTGCGGCGAACAGTTAAAAAGCATTAATAATGTCGATTTTT

>EP78199 (+) Dm TSF1; range -499 to 100.

TTATTGCCAAGATCCAAAATAATTACCAAACACACAAATGCTGCAGGCTAAATTCTGAT
TTTGATCGATTATATTGTCGATTATATATACTATATATTGTCTCGAAGACAAGCAAAAAG
TCGAACTTAAGGTAGATCATGGATTGAGTAGCATACTAATTGATTTGCGAAAATCGCATT
TAATGGCATAGCCATATATAGTGTGCGAACTCGTTTGCCGGAGTATATAGGCCTGGAT
TGCCGCCCACTCAGCCTTTCTCGGGGAAAAACCGGTCGCTGGACTGTCTTTCTTTCT
TTATTGTTATGATTGCTATTATTATTATTACTATTATTATTGGTATTGGTATTGGTA
TTATTGTGCTCTCTTGTGCGCGGGCAAATAGAAGCGAAAGAGAAACAAATACGAGTGCAAA
AAAAAAGAGCACGAAAGCCGGGGAAGAAGCAGCACATCTGGGTGGCTATAAAGCCACC
AGCCGGCTCCGGATTCTCCACAGTCGAGCTTCAACTGTTTCTCAGATGATGTGCGCGCAT
AAGACCCACACCTGGCTGCCACTGGCGGTGGCGCCCTCCTGCTGATCCTTGACCGCAG

>EP78200 (+) Dm RPL13A; range -499 to 100.

CGCCCCGAAATAGCAAATGTCGTGATGTAAGCTGTATTCGCTCAGCACTTAACTCGCGT
CTTCTATCTACTGCCTCTCTTTTCGTTTAAAAAGCGCGTTTTCGCTTTCGCGCAGACGAAA
CTGTTTAAACTTTTAAACTTTCTAGCGATGGCAGCAAGCGTCAATCAACGAGTATCGAT
TTTCGAGACTTATCGATATAAGGCGATGCATCGATGTATCTGACTAATAGCCATTGGCAA
ACACTCTTATGACACAATGAAATGAAGAAGGTTCAATTTTAGTCAGAACATATTGCAACA
TATTGCAGTTACCACAGGTATATCTTTACTATTTAATTGTTAGTAAAACGGAAAAGTATG
GAAAGGTGACGACGTGAGTGGAGTGTGTCTCGGCTAACTAACAAATGTGACCGTATACA
AACATCAATCCGAACTAGTTCCGGCCGCCAAAGCGACCTGCGCAGCGATGGTCGAACTG
TCAACGCAACTTCCGCCTTCTTCCGTGCGGTTTCGTAAAAATGACTGGTTTAAACGAACAG

GGTAAGTGCCGAAAAAAGGCCAAATAAAGCGGTGCGAGCCTTAAGCAAATGTGTGCAATTC
>EP78201 (+) Dm RK2; range -499 to 100.

GAATGTGAAACCAAGTCCGAATAAGACTAAGAAGAATCCATCTGCCATCATCTCGATCCT
CTGTCCAGATGGCGATAAGCCCAATAAGGAAGCAAGCCCAAGAAGAACGGCGGGTCGGA
AGAATTTTCAGGCCAAAGAATGTCCCGAACGAAAAGCTTCAAGCCACCAGAAGAGAGGCG
AATATTTCTGGAGCAGGAGGTGGTTCCCATTTCTAATGGAGGGCATGTTGGGATTGGCCCG
GGAAATGCCCGCGATCCCATCGTTATCTGCAGAAGTTTTGGCTTGACGACAAGCACAA
GTGTGACATTCCATTGCCGCGAATATTCTTTAACATATAGCTCTGATGTAACCCAATCA
AATTTCAAATTGTCAGCTAATTAATGTTTTGATTGACGTTAAGCTTACGCAATGATG
CATTTCTTTGATCAGTCAGGCGAAGAGATTCTGTACCGATTTAAGGGCTATAAAGCAGA
TATTTCAATCTCAAACTGCATCATTCAATTTACAGTTTGC GGATCTAAAGGAAGACTGCT
ATAATCATGTCTAGATTGGTGAATTATTTCTTACTTTTATTGAGGGAAAAATTTATTCAA
>EP78202 (+) Dm BCDNA LD23830; range -499 to 100.

AGAACGCCGAGTTTCTTGAAGGGCGCCAACTGGGTGCAAGGCGGATCCGTGGGCTTTATG
AATCCCGCTGGCACTTCGCTTAGTATCCTGATGATTTGCTCTCTGGAGAGAAGTGCTACT
CCCGCAGCTTCCGAATCCATTTTGTGTTGTTGCCAAAATGTTTTGTTTTGTTTCCTACG
CCAGTTTCAACATGTTTCCACTGTACTGCCTCTTGAAGATGTGATTTTGTAAATTTAT
ATAAAAAATTAATAAATTTCTTTTGAATTGAAATAGTAATACAATTTTGAAGTGCA
ACGTAAAATAGACATAATTAATGAATTGAAATACTCGCTCATATTTTAGATGGATATATT
TCTATATTAACAACACTGCAATTAAGTTGAAACATCTTAATGCCTTTGAAATGATGCCAC
ATCGCCAGACTTAGTTACGCGGGCTGGCATCGCGTGACGACATGTGAACCTAACTGG
TTCCGCCCGAGAACCGTTCTTTTGAATACGAAGCTGACACCGCGTGGTGTGTTTTGCT
TTCGATTCCGCATTTATTTCTTTTCGACGCGTGAAAAATAACAAATCTGCCAAGATG
>EP78204 (+) Dm CG8415; range -499 to 100.

ATATGTTTTCGATAAGCATATATGCGTAAGCATATGTTAAATATTTGAATGTGCGTCAAA
TTAGCGTCGTTGAGTTAGCCGCGATGGCTGAACATTGGAATAATTTTTTTATTTATTAATT
TTTTGTTATATAGAGGTGAATTCAAAGAAATAAAAATTCAAAAATGTGTCGCGCGTGCTT
GTCCCGCGGTATCTCGCAACGTTATCTAGTGGCTAATTTACTTTCTTTAGTTAAATCTT
TCTTTTTCGTAACATTATTGCATATCTGTTTTTGAATGCACCGCGAAATAACTATATAT
TCAATAAAACAATACCTAATAGTTATTGCAACTAAACCAATTAATTTTTATTTAGTTGT
ATAAAATATTTGTACGATATATCGTGGTTAAATCTTGCAAACTATCGTCGCTGGTGTCC
GGGTGAACACGCGCGGTGACACTGAAACATCGCTGGTATTTGTAACGCTCAGCAAC
GGTCACTCTGCCATCCTTTCTTTTCCGCCGTTTGGCGAGAAAGTTGGAATAATTATG
GGTGAGTTGCTGAAAAGCGTAGTTTTTGTGCGAATTAAGCGAACAGCGCTGACAAACAGT
>EP78206 (+) Dm CG7414; range -499 to 100.

TGTGTTTCATATAACTTTGGATTTATTTGTTCAATAAAGAATGTTTAGCTGTGTTAAGATG
TAATATATACTCTAAATATTTCTACCGTTTCTAGCCAAATATCCGAAAATAACCGCTC
ATATTTTATATGCCGCGATTGGATTTTTGAAAATAATTGTTCTAACATATAGATTCCATC
AGCACACCTTCGATTGGAGCAGTCGAAATGCTTAGCGTTTCTGTTCCAAATTTTTTAGTA
CTAAAATGTTTTAAATTCACGTGGAGCAGATATTTGTTGGAGTTCTAAATACGTTCCG
TTTGGTTTGGTTGATGTTTAAACGTGTCGTTGTGGCGCAATGCCCATGCATGTTTACTA
TCGCTTATCGATACACCGGTACACGGCAACCGTGTGTGACCAATTCAAGCACGAAATCG
TTGACCAACACTGATTGTACATCAGACGACACGACAACAAAAACAACAGCAACAACACCA
CCGACGTGCTTGTCTGTGTGTGTGCGTGTGAGATTGGAAGACAATGGCTGCAGCTG
CGGATCTGGTTGTTCTACCTTGCCAGTGAGTATAGCCCGGATGCAATCCCCGCCAGGT
>EP78207 (+) Dm CG4046; range -499 to 100.

TACTCTTTTTTTCATTACTTTATACTTGAGATAGTAGTCTATCGATAGATTGCGATAACC
TAAAAAAAATACCACATTGCAGTATTTTGAAGCTTAGACAAGGAAAATGTTTCGCTTTCT
TCTAACAAATTAACAATTTGTGAGGTCAAATTCACGCAGATCCAGTTCTGCACCTCAA
ATCGCGAAGTATAGTTTTTATTTATTTTGTGCGAGTAACGGGAAACACTTCAG
CTCTATTATTTTGTCTTTTTTTTTGTAATTTAAGTAAACGCTTACTTTTATATGTATA
TATATTCGTCGATTTAACTACTATGCTTGTGTTCTATTCTTTGTTGCAAGTTAATTAATA
CTTAAACTTAAACAGACTTTTCCGATAGTCCTTCGTTTTGCAGCACTGTCCGGCAGGTG
TCCCTTTCTGGTATTTTCCCACTGACAGCTGCGCGAATGCCGAAATGCGGTCAACCCTAAC
TGTCACGCGACTTCCGCTCTTTTCTACCAACTCGCGGAGCAAAATGCAGCAGAAGGT
ATTTGTGCGCGTGAACAAACAGAGAATTCGTGTCTAACTAATGCCTAAAATGTTGCGAAT
>EP78208 (+) Dm PEPCK; range -499 to 100.

AACAACTGCTGTTGCCTCAGCTGTCCTGAACTGGTTTCTATATTCGACGCGGCCACATT
TGTATCGCATAAAATCATAAATAGAATAATTAATTAACAGCGCGAAAGTGGCAAATATC
AGGGTGTTCAAAATAACAACAACGCTTATCAATGCAACGCACTAGAAAACGCTCTCAG
CGCCACATGAAAACAACACTCTGCTGTTGCCATGTGGGGACATACCCCATATACGTATCT
GTATGCCCATGCCCCCATTCCTAGACCCCCCCCCCCCCACCCACAACCAACTCATCGTA
GCTGCGCCGCTGTGAAAAACCAAAACAATCGCGAGCCTCCGCGGCGAGCCAATCAGCT
CGTCCGGAGTTTGACCTCTCACTCGGCGAGGCGATCGTAAAACCCGATTGCGTGGCGA
TCGGCCGACTTGTTCTAGTCGCTCGATGGCCAGGCGTCGCCGGCTGGGTATAAAGGCC

CCGGATCGGAGCAGTTGGCATCAGTTACTCGTGGCCAGAGTAAATGGAAAGATCAAGTGA
AAAGCCTACTTTTCAGTGGTCTGAAAATCAAGTTGATGTTTGACAAAAAAGTGTGGAAGAA
>EP78210 (+) Dm CG3751; range -499 to 100.

TTTATGAAAAATAAGAATGCATTCTCAAGAACATGAATGAAAGAAAAGCTGAATCATCAG
AAAGTTGGTTGCTGCCATTCAAGAAAGTCAAGATTTGTTGGCTTCTTTTTCGTACAAAAT
AATAATTATATTAATTATAATTATAATTATATTGATTTGGGAACAAAGAAAAATAAAGTT
GACCAAAACATGTTAATAGCGAATCGTAACTCAATTTGGCGCTCAAAGGAAAAAACTA
ATAAACGTAAATTTGTCATAGCTTTATGAGTAGACTATTGACTAATGCTTATTGGGTATT
TTGATACTCGATCGATATTAATAAGGTGATTTTACAATTTAGTGTATTGAGATTAAACAT
AACTTACTTAAGATTTTTTATTATTCAAATATACACTACGATCTGGCAACAACAGTTGGA
CGAAAAATATCGATAGTCTTTAAATATCGATAGTATCGAATCATCGCCATTTCTCCATC
TCTGAAACGGCCATCTTCCTTTCTAATAAATCGCGTTTCGCAAAACGACGTGTTTAAACC
TTTTCAAGTGTTTTAAAGGTAAATTACTCTCAGAACTGCCATAAAATGCAGGCAAGAGC
>EP78211 (+) Dm CG8615; range -499 to 100.

ACCCGAAACTGAAGATTCTAGTGTGACCCGACGAGGCAATGCAAAAATACACACCGCTGA
ATAGTTATTATTTCAGAATTGGCATCAGTTTTAATAAAAAAAGGGTCGCTTGATTTCCG
AACCTTCTTGCCATTAACTTGCTTATTAGAAAATCAATTTACAAAAATGCCATGTAAAAA
TCAGATACTATTAATATTTTGTGTGTAACCCCTAATATTAATAAAAAAATCCTATGGTCAT
ACTAATGATGTTATTAGCGGCGTTGCCACACTTGTATATCAAGCAAATAAGAGCTTTCAC
ATATAATTTTGTTTAATTTGATTTAGAGGTTTGAAGTTTACCCACAGTATTATTAAT
GCTAGAAATTTGTTTATAAACTTAGGATATCGCTTAGAAAATAAATGAAGCTTGCGCCT
TAACAGCACGCTGTTATCATAACAGCACAAATTGGATATTTAGCGTCTTGCTTGATCG
GTGCAGCCCACTATTTTCTTTCTTTTGGCTTTCGTTTCCGGCGAGGTACGTGCAAGAAA
TTGATGCTCCACGTTTTTAGCTTAAATTAATGTCCAATTCTCTATTTAGCGTTGATTAA
>EP78212 (+) Dm CG4769; range -499 to 100.

ATAACAGCAACCAAAAATTTGGCTAAGGCTAAGGCAGCTGTTTTTAGAGCTGTTCTGTCA
ACTTATCTTATGAAATCATCAAGTGGTTTCTAAAAATCAAAAAATCCAATTAATGTCA
ACAAGTAGTTCCAATTAGATTATGAAGTATTTGAATCAACAAGTTGGAAAACCGTAAAT
TCGAAGATATAATAAAGAACATGAAAGAAAAAAGCACTAAAAGCAATTAAGGTACAC
TGTGTAACAAATATTTATTAAGAAAGAAAAAATAAAAGTGATATTTAAATGTATTAT
TTAAATTATACATACATTAATATCATATTATAATAAATATCATACAGTAAATAAAAAA
TAATAATAAAATAAAATTAATATCTGTTTAAAAATACCAAAATATCGCCCCGCGAT
TCCGATTCCGCTGGCAACGAGCGAGTTGCCACCACCACCTCCGCGAGAGAGCAGCGAAG
AAGAGGAAGACGTTGTGGCAGTGGTACTGAAAGATTGATTTCGATTGGCGATTGGCTGCC
GCAGAGTTTCTTAAACGACCAGACGACGAGAAATTAAACTCCGGCCACCATGGCAGC
>EP78213 (+) Dm EF1-BETA; range -499 to 100.

TGCAACGGTAACACTGCGCATAAGATATTCACGGTTTTAGTCCGCGCTTTTGGTATATTT
GTGTTAAATTAATATTCAATGACTTATATGAATTTATTTGAAAGTAAAGGATCTACTTA
AACTTAATTTCTATTAAGCCCAAGCTCCCAATTTGTGTGAATTTGCCAAGGAAATGCAT
ATTGTTTTACAAAGTTACAAAGTAGAAGCATAACAATTTCTATACAATTTTTTCTTTTC
AGAATATTAATGAATGTTGTTGGCCTTAAATTTACGTAGCCAATAGCTAGCTTAAGTAT
AAGGTATTAATTATAATCCTTATGTTTTATTAATAAAAAATACAAGTAAGCGTTAAAAATC
TATTTGAATGTATGGTATATTTGAACGATATTTACTCAAACCTCCGGGTCAACCTGTGTTG
CAACTACTTGAAATACTAGGAAAAAGTCAGTATTTTCATTATATGTTTAAAGACCGTTTC
CCGCGAAGGTCACTCTGTTCTTTCTTCGTCGGCAACGTTGCGCAGAGCACGGCTCCAGAT
TTGTTAAACGCGAATTTACCCCAAAAAACGCATTTAAATGGCATTCCGGTGATGTGACC
>EP78214 (+) Dm CG7203; range -499 to 100.

GCGAGCTAACCGAAGTGAATTTAATTACATTCTGCTGATGAAATTTAAATGGACAGCCAG
TGGTGCTGAATGTGTGTGGGCGATGGTGGTACAGAGGCACAGTGGTGCTGCGGTGGCTT
GTAATTTGCCTATCCATTGTTGTTAGGGGCACCCGAGACATGGCTTTAGTGTATATCATA
TACAGATATTGAAGTCATGGTTATGGATTGGCCGAATCAAATGAGACCAGTCTTGTTTTT
GTCATGTCAACCGGTGTGGCTAATTGTCGCGCACTTGAATTGTCGTCATGAATTGTGGT
TATTGATTCGGGAAGGTCAAGGGGTTCCGGTTGGGGTTGGGGTTGGGACTGAAGGTATTA
CGTGGTTTGTCTCTGGCCCGGTTCCGCAATTTGTGAGCAAAACATACACATGGCTGATC
AATCCGAGAACTGGCCTTATATGCTAAATGAAATTATGGATCGGAGCTATAAAGCACTT
GGCCAACGGGCAGATGTCAGTTAGTTTCTGTTTCAAGCGTCACTGAGATCACAAAAGCCAA
CATGAAGGTGAGATTGAAGGGATATCGGATAACTGGAGCTTAGTTACAGCTAGTGTATG
>EP78215 (+) Dm EIF3-S8; range -499 to 100.

CAACATGTTGCTGGCAACTTCAAATGTTGCAGGTCACCAATGCAACATCTATGTAAGCAT
TGATCACTGATTATCTTTTAAACATTATTTGAATAGTTACTTAAATGGCCACTATTTCA
TTTTGATGATATATTTGCTATGTAATTTAATGGATTTATTTTAAATGTACCGCCCAACCG
GTTACTTGATATCGATATATCTCGAGAAGTGCCGGCATTTCGTTATCGATGAGTACGCGC
TCGCATTCACTCAAAACAGTACTCCCTTAGAGATGGGATAGATTTCCGTAACCTGTTGGT
CCGCCACATAAAAAACAAATGTTCTGTTACATTTAAAAAATGTTTAAACGCTCTCCT
TACGAATATTAGTAGAGAGTAATCATTTCTCAACATGACAGTTATTATTAATACATAAAT

CAAACGCCCCGCCCCGTGACTTTGAGCAATATATATCGCCAACGAAAACACATGCAACCA
TCGCCCATCTCTAGTCTCTCTTTTTGATGTCTTGTGCATTGACATCGTTTAGTTTTGCT
GTAAAATAGTAAGTTTATTGTGAAATATCAAACGCCAGGTGGTAGTAAACACTTAAAAAG
>EP78216 (+) Dm CG10423; range -499 to 100.
CGCATCTTTCTATAAATATTGTTTGTATTTCGCGGATATATGCAACAATTAGCCGGCGC
CAAAAAAATGTTTATTTTAGTATGACCAAAAAATCAGTGGAAGAATTTTCCAAGATTTTAC
ACTTTTAAAAAACAGAATACGCAAGAAATGTTATTCGAAAATATATTCGTTATTATGTT
TAATGCTTACATTATTGTGCCTCAAGTTTTAATAAAATGGCTAGTCTTAAAAAGAAACA
TAACAATATTTAAGTAGTCATACGTCGGCGAACTTTTTAATGATAGTAATAGTAGTAATG
CCTAATATCGACTGTGTAGCGTTTGCTTTTTATAAAATTTATTGCTAATACACGAATAAA
GTCAGAATAAATTTTGAACCTAAGCAACACACACTCCAGTATTGGAAGCGTGAGCAGCA
GAGTTGCCATCGCCAGCTGTTTACGATTATTTAGTGCATTCTCGGGCAAGTTAAGTTGG
CTGCGATTTACCCCACTTCCTTTCCGTGTTAGCTGTGAAAGAAAAAACATGCCGGTGGG
TTCCGAATTGCGTTAAATTTGAATTTAAACACAGAAAACCTAACCGAATGATAACCAAAA
>EP78217 (+) Dm GP93; range -499 to 100.
TTCAATTCATATTTTTATCATTACTTTGCTATATCAATAAGTTCTCAGTTATCTATTTTG
GCAGCTTAAAAATTGTATATACAGCAAGTTGTTGTGCAACCGACCGAAGAATTTATTATT
TTAAAGCTTAGTTGTTGTATACATGAAAAGATACTAATTTGTTTCAAATATAAATCATAT
ATCTACCGGCCTAAGTGTTCCCTTTGTAACTATTGATATAAGAATGTAATTATCAAA
TTAAATATATTTAACAGTAGAGTTTGTGACACTACATCCTCTGTAACTAAATCCCAAAT
AGATTCTATGAATGTATGGGCTTTCAAATAAGCAAACATTAAATTTATTTAAATTACACT
ATTTTCGTGCTCTGTGCTGTATATATCCTATTTCCAGTGCAGCCCTGGTATTTCTTT
CCAATGCGCTTAGAATGTTCCAGCGCCGAATACGGTCACTCTGCGAGGCATTTAAAGGC
CTTCCAGCCGCTTGTGCGGCTCAGTAAAAAAAATCAAAGCAGGCGACGCAAGTGCGGAC
TAATTTATTGCATCTGTTATTCGTGACGTGGCCTTTCCGCGGACGAACCGATAGCTCGAG
>EP78218 (+) Dm CG2221; range -499 to 100.
TTGGCCACTTACCACCATGGTCAACGAGCGAAAATAACCGAGTGGGTTGTGCGATTGCTC
GATTTACGGACGCCAACATGTGCAAGGCCACCCTGCTGGCTTGCAACTACGCGGTCACCA
ATGTGGTGAATAACCCGGTTTACAGGGCGGGAACCGCTGCCTCGGAATGCACTACAGGAC
GAAACTCCAATATCCGAATCTCTGCTCGCCCAACGAGGTGTACAATATAATCAATGGT
CGGGATAAGGGAATGTATGCTATTTAGCATAACATTTTCAAGCGTAAATGTGCTGAATTG
TTTATTTTTATTTGTACTCGACTGCAATTTCTGAATATATTTTACACGTATTTATCGAACA
TTTTTTAAAAATTGGACACCCATCGAATAGATCGAATTTCAAACGATAAGCGATATTTTA
TCGATTATTTTCAAGTTTATCTGGCCGCATCGTACCTATCGATTAAAGCCTAGCATGGCGTAC
CATCTCTAGTTGCTCAGCATTCTGACTTTTACTTTTCACTCGCAACGGCTGAAATAACGGT
TGAACAATGGCGAAGAGTGTGCGTAGTGCTGCGCGCAAATTGCGATCCTTTTGCCATC
>EP78219 (+) Dm CG5362; range -499 to 100.
TTCCACAAGAAACATTCGATTTTTTTCCACAGCTCAAATATCGATAATAGCAAGCGAAA
AAATCACTTCACACGACTGCATTTGCGTATTTTCAAGATATGAAAATATAGCTAGGTACTAA
TTTTGTATGTGTAACAAAGTGACCAAGAATAATGCAAAGAAATATGATATTTGATGCTT
TTTCTGCAAAATTTTGTGTTTACATTAACATAATTTAATAACTATATTTCTATTAATTTT
TCATTTATCATCGTTTTATTTATTTATATATGTATTTACTTTTTTTTGGCAACTGTAAAT
ATTAATAACAATAAGAGAACTCCTTAACCTTTTGTATTATTTAAAAATTTAGTAAATTTG
TAAGGAGCAACATAATCGATTATTTTGCCAAAAACATATTGCGTTGGAGTCACGGCTACT
TTTATTCAAAAAGTAGTGACTGGAAAATAATTGTGAAAAGTAACAGGTTCCCAATTGGCG
ATCCCTATTTACGTTTTTACTTGAAGTTTCGTCGCGGAGCGTTGCACCTGTGAAATTCTA
AAATGGTAAGCTTGCCGGCGATTTCTCGCTACGCTCGTATAGTATATATCATCAAATTAT
>EP78221 (+) Dm PEBIII; range -499 to 100.
CTAATTGTTCCGAGAACTATTTATTATTTGCAATCAACTTTAAAGCGACTATTAAAGGGTC
ATGTTGACGGGTCTCAAGTGTAAACAAATGAGAAATTGCTAATGGAAATCGCTAATGAGA
TCGTTAAATCTGGTAAACAAATAACATATCGCCAAGTTAGCCCCGTCCATCGTGGCTGCGA
ATCTCTCGCAGAGCGACTTTTCGATCGCCGTTTAGTACTCAGACGTACCTGCCTAATGTT
AATGTCAATTTAAGTGTGTATAACTATCGCACATATATTATATAAATTTATAACGACGAT
TGACTAATCACTGGGTTGACTTTTCAGCAATAGCGATTTTTCGCTTCAAAGTCTAAAGTGT
GTGCAATCCCGTATGGATACGAGCCGAGCTCGAACACAGGCTCACAGCGCGCGGTTTGTG
TTGTGTATTACACTTGAAGTTCAATCCAGGTAAAAAGTGGGCCAGGTATAAAAGCCCA
CTTCATAGAAACATTTCTCAGTTAGTTCCAGCAGCTGAATTGCTTCACATCTATTCGCTC
CGAGTCGCCCCACAAGTCGAGCCCCATTGTAAGACCACCGACCGTTTATAGTTTTTGGGA
>EP78222 (+) Dm CG2998; range -499 to 100.
ACAAATATTTTACAGCACTGTTTCGGCCATCGTGCTGCCAACTTGGCTATTACACCGCTAT
TATCTGGCTATTTTTCTGCTAGAAAATATTATGTTGACATTATTAATATAACATTGTCT
GTATACCAGAAATATTATAAAACAAAATGAATGGTCAAATTTAAATGTAGCAATACAAA
TTGGAAAAATTTTTAAAAAATCAATAATAGATATATGAACACAATTTTCTATTGTTATTG
TGTGAACAATAAAAGTTTCGCTTAAAGATTTAGGAAAAATGCAATTTAAATATAAATACTAA
TTTTTGAACACGAACCATTTAAAAAACAAGGCATACGGAGGGTAAAAACTACTTTTTTC

ATCTCTCGATAAAATAGCTAAATTTCCGAAC TCCAGATCCCTATCGAAAGATAATCTTATG
TAATACAAACTCAAGCAGCAA CTATATGATACGATAAAGCAA TTATGTGTCTCTGTCT
AATTTAATGTGTGCA TTTATGAGATATGACATCAAATCAAAATAAAAATAATATCGAA
CAATAAATGTTTGTGTGTTCTCTCTCGCGGACAGACTACAAAAGAAATGTGAAAT
ACCAAAACCAATTTTACCATTGCTGCGAAATAAAATAAACATAATAGTTGCCCTATT

TGCTGTTTCTTTATTTTAATATATTTAGATTTAAATACCCCGCCGAATTCGATTGCTAG
CGATTGAATATATCGATATATTAATATTTATATTTTTCATTTCGAGATGTGGTCACACTT
CTCTGCATGAAAATACCAAAATATCGAGCAATAATTACCCATCCATATATATATTTTGT
TTGTATATTCCTCTGTCACATTGTTCAAGCAAGTCTAAGAAAAGTAGGTAAAAGTGCTT
TAAAAATTGTATTAATTGCGAAAAATATCAAGTACCTGCGACCACAAAGCTATTGAATAC
>EP78230 (+) Dm CG6370; range -499 to 100.

AGGCTCCGCCCAAGTGGATTGGGTGAGGATCGCACGGAGTACTACGACCAGTTCTGCA
AGGATGTGCCACCGAAAAACGAAGAGACCGAGGAAGTTCTGGTCAACAAGTATCCACTTT
ACTGCACTACTGCCGTAACAGTATGGAATCACGAGGGAGATTTACCAAGACTTTCAAAA
GAAAAATATTCTATTACCAGACCTATAGATCTGTGTCCTGATAAGTTTGCACCTTTAGATGT
GGAAATTGTATGAGAGTAGTGCCACAGAATATTATTTAATTTTGATCTTTTATTGTAAA
TGTTACATAAAAAATTAACTTGCAGTTTGAGAAATCTATGCAATTAGTTTAAATTAACA
TTTTATTTAAATTCAATCTAAACGTAATGTTTTATAACGGTTGAGTTTACAGTAGAGCAT
GCATACGGTCACTCTTGACAGCGGCATCGATGGTTCTTCGTTTACGCATCGATGTTTGT
GATCCAGAAACATATCGATAGTTGTCTCGGCCGCTGACGTGTATAAAATATCGAGGGACA
GGCGGTGATTTTTGAGCGATTAAATTTATTTTCTATAGAATATAAGCGCGTGTGAAA
>EP78231 (+) Dm CG11700; range -499 to 100.

CCAGGCGGCGTCAAAACAAAAAAGGTTCGATTAACTCGCCAAACAAAGAACGTCACAAGA
AGATGTCTGTGCGTCTACATGCATACATATGTATGTATATACAAATTTATACACCTCCCT
CTGTTAGAATACACACACAAACGCATACACTTCAACAGCTGAGATTAGTGTGGAAAGAG
GGTCAGGCAACTTATCGATAACTCCGCTCTCTCGTCCAGAGAGCGAGCGAGATAAAAGC
AGTGACATATGCACTACGCATTTTGTTCATGCCCCAATTTGCGTATTGCAGCTAGC
CAATTGATTGGCCTTCATGTGTTAAATACTCTGTCAATGCGAAATCTCATTTCCAATAG
ACTAGACAAAAGAAACGGTCACTTTAAGTGGCAGAGAGCGAAAACAAAGTAACCTACCGC
CCGAGAGTGAGCGAGAGAGCAGGCGACGACTTTCCAGTCAGCTGCCTATAAATACCAGCG
TGGGGCTGCGAAACGAATCATAACTGTGAAAAAGTCGTAGAGAGCGGACGTCAGAGCAA
GTAAAAATAAAGCAAGTTTTTGAATATTTCAAAAAGTGCAGACCAACAGTAAAGAAATAA
>EP78232 (+) Dm BCDNA LD21503; range -499 to 100.

GGTCTCTTCGCTGTGTGTGTGTGTATGCGCGCATGTGTATGAGTGTGTGGGGGAGAGAA
GACGAACAACCTTGGCTTTGGCTCTCCGATGGAACTTTCTCGTGCTCTCACATTCAACA
GCCCTGCTGCCTGCGCTGACGTCGACCGAAGACGAAGAAGACTCGTCTTCGCATGCTCAT
GCGCAGCGACTTTCTTTAATGCGGAAGCAGACAAAGCTCTGCCTGCGCTTGCTTAATGCG
GCTTCTAAGCTCGGAGGCTGCTGAGAAAGAGAGGAGCGCTGCGGTGAGAAAGAGAGGGC
AGCTGCGCTCTTCGCAGAGTCAAAATGCCAGAAAGAGCAGCAGACACGTGTGGAAGAGG
GCTCAGGCTCTTCGCGCAGCGAGACCTAGCTGTATGTGTGGGCACCGCGCTTTTTACA
TAATTTTACGTTATGCCGCTGCCGAGGCGACCGCTACGTTGGAAACTCTTTAAAAACAGC
CTGACAGCGGCGAAAAGTTATCAAAACGCGAGCTTGTTCCATTGCAATGAACACACCAAGT
ATTTGCGTGGTGCCAAAGGAATTCAGTCTCAGAAATACCAATCCACCAACCCAGCCACC
>EP78233 (+) Dm CYTC2; range -499 to 100.

AAGTCAAACAAGTAGAATCGCCTGCGAAACAACAAGATCGGCCACCATGCTATCCAGAAA
ACTGCGCTTAAAGACTACAAACATATTCAAAGATGACGTATTTCACTTGGATTTGAAA
CTTTGATTGGGAATGGTCGAGCTCAAAATACATTTCAAAAAGGTTTACTTTCACTTTAGCC
AATTAAGTTGATAAACCAAAAAACCTCTCTTAATTCAAGTTGTGTGCGACGCGGGTGG
AGGAAAGTGTGTACCAATCAGCTTTGGTCACAGTTGGTTTTATGGTCCTACTAGCAAAA
TGTAATAAATTGGAGAAGCTTGTTAAATAATGCAATTTTCCAGAGGCTTTCCAATATAG
TCCCGTTAATAGGGGAAAAAATTACTTATACGCCGTGTGGTGGATAAATACGGGTACAAA
AGCTTGCGACATTTTTTAAATGCGTGGCCCCGGTCACTCTGGTCACACTAATTACCTATC
GACATAACGCGCGCTCGTCATTCTGTGAAAAATCGGCGACGCTCGACGTTTGTGTTCAATG
TAAGTAGTGGGTGGAATTTTTGTATTTTCAAGTGACGTAATATTACCTTGAATAGTTAT
>EP78234 (+) Dm CG4169; range -499 to 100.

GCGGCGACTACAGCTTCACGGACCGTAGCGTCAAACCCAAGGAGCTCCTGCCCTCCGAGG
AACTCGCCGAGCAGGTGCTCAGCTACGCCCCGCGACCTCGAGATGATAGTTTAAGTCGCAA
AGCAGCCGTTAATAAACGACAGAGTAAGGTTAAGAAAACAGTTCTAACACGCTGGATACC
ACAATTTTTATAATAATATGTAATTACATTGAAAACAACAAGAAATTAATTTAAACTC
CTAAGCCAGTAGTATATTATTTCTGCAACCTAGCAACAGTTTGAAATTAACCTTTTCACG
GATAATTTTGTAAAAGTACAACATAAATTTTATACATTTTCTGTATGAATGTAAGTGC
CAAGGAAAAACATTTGTTAAATTTTTTCACTTAGTCAAATATTCAAGATCACGATATTT
CGAAAATCCCGTGACTTACCATAAGTCACAGCTGGTACTCGGTGTGACCATTTTGGAGCG
CATTGAAAAACTAGGGCTTAGTTGAACCCCGTGCGACGGCCACACTAGCGGAACGACCG
TAAAAATTTTCGCTCTGCGAATATTTGTAAAAAATTGCTTAGAAAGCAATAGAAGAAAT
>EP78235 (+) Dm CG10565; range -499 to 100.

AAATAAAAGGTGATTACTATACAGCCAGCACTTATTTAGCACTTTAATTGTAATTATAC
AATTGTTTATAAATAAATGTGATAAGCAAACTAACAAATGGTAGAACTTAATGGTTTTT
GGAATATACGTCAAGTTATCATTCAAATGAATTATAAACAGTCGTTTTCTTAACATTGT
ATGACACTTTCTTTTTTATGTTGCCCCATTATAACAAAACTCGAATGTGGAATGTATTTA

ATAGTGTAGGATTTGTTATGTAATGAACGTGGATTAATAATTTGTTAAGACGGTTAACTA
AATATATAAATCATAAATAACCATTAGTTGAGATACGGTCACACTTTGGCGCCAAACCAA
TACAACAGTTGCCATTCGATTTTAGCTATAGCAGCTGGCAGCACTGCCAATAAGTGCCAG
CGATACATGCTTGCTGTTATCGATCAAATATAGAGTAGGAAGCCAATCGATTTTACCAGC
GCCATAATCGATGATGGCATCGATGTTTACCACCCTAGTCGAAACACATGCGGTGCTG
CGGAAAAGTGTGATTATTAATTGGATTTTCGACGTTTTGAAGGCAGCGGATCGCCAAATTT
>EP78236 (+) Dm BEST LD29743; range -499 to 100.

GTTAACTGTTAGTTTTCCGAGCTCAAGATCGCACAGATTATAAAGAATTTACTGTGCAAT
ACTAATTAATTTATCTTTATCATTATTTTACTTAAACGGAATTTGTATAAGCCAAAAA
CAAAATTTATTAATAATCTCCAATAAAAAATGTGTATCAATGAAATTATTTTCTTATGGA
ATTAATTTCAATAGTTTATGCCCCGCTTTGTATTTAACATCTAAACATTAGAATTAAT
AAAGTATTTAAAAAATTTAGCGTATAAAAAAGCATGGATTGATTCCAAGTGCAATTTA
CGAATTTGCATTGAATCACGATAATAATTTCACTTGTAATACTTAATTAATAATTTAA
TTCGGAACCCATATTAATTTACCGAGTTTCGAGGCGGGTTGGCAGTCCGATTGCATGACGT
AGCAACGCCGCCACTTTCCAGCACTGGCCGATTGCCAGCCAAAATGGCGCCCGCCTGCTA
TCGCATTGCTCGAGCAGATATCGGTTTCGGCAGCGCATCACACACAAACGCGAAAAA
AAGAAAAATACGGGTGGCCTGCAAGCGAATATCTCCGAAATTCATTGAATCCCGACGCCG
>EP78238 (+) Dm PGLYM78; range -499 to 100.

CGGACAAAGGAGGTTTCAAAATTACTTGATAAAAAACAGTTTCGGGGCGTGGAATCCTTT
GTCTCACTTCACAAAGACGTCTTCGTCGGACAAGCGGGTGGCCACCAGTTGGTCCAGCCC
GTTGCCCGACAGCTGGGGCCAAGTGCAGCGCGCGGTGACCTTTTCGCACATGCTTTAAGT
GACAAAAAGTTGAATTTATGGGAGCAAAATTTAAAAACAGCCAAATTTAAAAACAAAA
CACGAATATAGTGATGACAAACGCGAGCGATAACATCTGCGCGGGGGATGCCAACCTGTT
GCACAGCGCAAACTAATTGGACATTTGAAGGTAGCTTGACGCGCTATTCCAATAAGACCA
TACTCCGGAGTCCAATCAGAGAAGGCACCGCATCTGCGCACTACGTTTTTCCAACAGAAC
GGCAATATCGCGGCCTGACAGCTGCGACCTTGGACGGCTCCCTGTAGGTCAAACCTCAG
CAGAATTTCCACATATTGCAGTCGCAGCAAGGCGGCAGCTTAAGAACGAGTACACAATTA
TCCGCAGAGTGATCAACGCAGCTAAATGGGCGGCAAGTACAAGATCGTGATGGTGCGCC
>EP78239 (+) Dm CYP4E3; range -499 to 100.

CGAGAAAGGGCCGTTTAATAAACTTTTGTATCAAGCAAGACAGCATAATGAATTGCGAC
TGCAGTAAGCACGTGGCGAAAAACAAAACGAAGTTAATGTTCAAACCTAATAATATATA
CGAATATTATATAATAACAACAACTTAGACTGTATGTTATTTTCTCAATACAATACCTAT
AAAAAAAACAATAAAAAAGATTCAATAAAATGAGTTATCCAATGGCAGCATGCGCGTGT
TTATCTTTAATGTCTTTGGTATTGCTTCTAATTATAAATTTCACTTTTATTTAAGCTTTT
GTTTAAATATTCAAATTTAAATTTAAATCAAAATAGCTGTTACCTATCGATATATCGAAA
CTGTTATTGCTCACTTTTGCCTTTAATTTAGCAAAGTTCTGTACCATTTCGAGCTAAGTT
GCACACCTTCGGTTTAAATTAGGTTTATTTTCAATACCACCTGGTCTTTTAAATAACAAT
TTGGAAGTGGTCACACTTCCTTTCCACGCGAAACCAACAACAAAAAACGTGTGTTTTG
GTCAACAGCGTGTGTTTTCTTTAAATAAATCTGTATAGAACAGATTTAACTTGACAAGAAG
>EP78240 (+) Dm CG7470_1; range -499 to 100.

AAGGGGCTTTTCATCGATGTAACAAGTTGAGATATTCAACAGTTAATTAATATTTTAA
TGCCAGTTTTTTATAAGTATTTTTCAAGTGCTAGAGTGGCAGTGATATTTGATGGGCAAT
TACTGTGAAGAACACGAAGTTTCGTTTCTTTCGCTGAGGTGGAGGACCAAGATGATTGGCT
GCATCAAGGGGTTTTCTGTGTGGCACCTTGATCGTCACTACCAAAACGCACTGCTCCATT
GACCTGACAAACAGCCAGTCACCAGATAAGCCCACTTTCCGCCGCTGCTGCACTTGATA
AGACCCGTACTCTCCCGGTTCAATGTTTGTCCAGTCCAAGCTACCGGAGAGTGATAGC
TGCTTGACTGATAACACTTTGAGAGAGTCCACCGTACACCAATTTTAAATCGCAATCGCA
ATGAACACTTACAATTACACATGCTCGCCCACTTATCTCGACCAGCGACCAAGGCGGT
CAGTCCGTTGGTTTCGCCGAGTAGAAATCGTCGGGCTTAACGGTTTCGGTTCGGTGCCTG
TCCGTGATTTGTAATAGCTTCTTAAACACATCCCTCTAAGTTCGATTCCTCAAAATGC
>EP78241 (+) Dm CG7470_2; range -499 to 100.

GTAATGATCCAATGTTGCAATTGTGCAATTCAATTATGCACTGCGTGTGCGGCTAACTGA
CTTTTGGAAAACACGCCGCTGGCTTAAAAACCAATTAACACACAACGATTATTAGGAATT
CGAAAAGAGCCACGCCAGGGCCAGGGAAGGGAATTCGGGATTGCAGTTTTAAGTTTAGC
TGATTACGCACTGATTAGGTGCAATTCGACGGGGAATTTAATTAATTGGATTGCAATTT
ATGCCCTCGATTTGTTGTTTTATGGCTTACTTCTGCTGTCGCAATTTATGACCTCCCT
TAGCTCTATGGCTTTGCCGATTGAGGCGATAAGACACCGAAATGGCCCGAATAAGTTGC
TTTATGTTTCGACCTGTTTCAGCTGGTTTCGCCGGAGCGCGCTTGGAAAAGGCGCATCC
AACCTTCACGGAAGGAGTCAAGTTGAAGTACGCCCGGAGGCTGGTGGTCAAGTTGGGCAG
TGCAGTCATTACTCGAGAGGACAACCATGGACTAGCCCTCGGCCGCTGGCCTCTATTGT
GGAGCAGGTAGGCATTAATATTTTTCTATCTATATTTTACGACAGGAAAAGTAACAACT
>EP78242 (+) Dm ANNX; range -499 to 100.

CTCATCGCCAGGTTTTAATTAATTAATTCAAGAAATGTCCGAATGAATCAGTTGATTTG
GAATTCAGTGCAACCCCAATTGAAGCGGAATTAAGCTCTCTCTCGCGCTCGCGTAAG
CTTATACACTGAGAGAAACAAGATTGGCTTCAAACGGGGAAATGGCAGGTACCTATGTTG

CAATACATCGCATCCATTATCTAAAACAGATAACAAATGCTTTAAAATTAATAAAAAAACT
TTCGATTTCAAATTCGAAAAGAAATTCAAAAATATTCTTCTATGTTAAAAACAAAAGAAAT
TAGATAAAAAACCGATCGATTTTGAGCCAAAAGCAATACAATATGTGTATTTAATTTACGT
AGCCGAGTGCTGCCCTTCAGATTCTGCCATCCAAAAACAAGTCTCATTTTTCTTCGTGTGT
AAAATTGTGCTCTGCACCGAGCGCAAACCGGAGAGCACTGAAAAGAGACCTCGGTGCAG
TGCTCCCAATCCGAATTATTAGCAAAAGCAGGCAGAGGCGACAAGACGTCGCAAGAAG
AATTCGAAAAAAGTCCCAGGAGAAAGACTGATTCGTGTGAAGTCGTCTACTGAAGAGCC
>EP78243 (+) Dm CABP1_1; range -499 to 100.

TGCCTGTTGCTTACTAAAAATAATGCAGTTAACTTTTACAGTGAGAGAAATAAATAGATA
ATTTAATCTACCTTAGAGATAAAGAAAGCAGTACATTGGGGTAGTAGAAGTAGAAGCTTTG
TCATTCTACGTCAAAAAGTATCATCACTGAAATTTGCAAGTTTTTGCATTGGTTTTAATG
AATGTGTTAAGAAATCAACCTTGAAATAGCCGCCAAATCACACAGTGTGTCAATAAGCT
CATTTTTAACTTATCTGGCAGCTCTGAAGGATTTTTAGAACCACTGCTAAAATACCGAAAT
ATATCGATAGTGGCAATAAACTTCTCGGACCATTTTCCTTTCGTTATTTGTACGTATATA
TAATTAGAATTACAAATAAAATCACGCCTTTGTTTTTGTAAAAGTATATAAGATTTGGCT
TATTTACATTATCAGCAGTATCCGCATTTGCCGGCTTCTACATCGATAGTCACAAAGTA
TTGAAACGCCCTATCGAAGTACGAGAGTACGCCGCACTCGCAGTGACGTGACTCTTTTT
TTTTAGCAAAATATAAGCCGCATCTCTACACATAGTTTAGTTTTAAAAGAGCCTATCGACA
>EP78244 (+) Dm CABP1_2; range -499 to 100.

TAAAGAAAGCAGTACATTGGGGTAGTAGAAGTAGAAGCTTTGTCTTCTACGTCAAAAAGTA
TCATCACTGAAATTTGCAAGTTTTTGCATTGGTTTTAATGAATGTGTTAAGAAATCAAC
CTTGAAATAGCCGCCAAATCACACAGTGTGTCAATAAGCTCATTTTTAACTTATCTGGC
AGCTCTGAAGGATTTTTAGAACCACTGCTAAAATACCGAAATATATCGATAGTGGCAATAA
ACTTCTCGGACCATTTTCCTTTCGTTATTTGTACGTATATATAATTAGAATTACAAATAA
AATCACGCCTTTGTTTTTGTAAAAGTATATAAGATTTGGCTTATTTACATTATCAGCAG
TATCCGCATTTGCCGGCTTCTACATCGATAGTCACAAAGTATTGAAACGCCTATCGAACT
ATCGAGAGTACGCCGCACTCGCAGTGACGTGACTCTTTTTTTTTAGCAAAATATAAGCC
GCATCTCTACACATAGTTTAGTTTTAAAAGAGCCTATCGACAAGACGCGTTGATTAAGAAAT
TTGTTGAGATAAACTCGCAAGAGATAGACACGTAAGCGGTTTTCGCAAACTCAAAAAAGAA
>EP78245 (+) Dm KARYBETA3; range -499 to 100.

ATAGTTATTTTAAACAAGAAACAAACCATTAAATCTAGGCTACCTGACTTTTTCTTTTA
AATACACACAATTCAATCAGTCTACGGTCTTTGGAAATAGATTGTAATTTTTAGAAATA
CTTTGTGTTCTCACATAACACAGTTCTATTTCCGTTAAAAGATCATAATCAACTGTTAA
ACTTTGAGCTAGAGTTTTTGACGGTTCTACAAACGCGCCAGCTATCGGGCATCACTAGTGC
GGGCGGCCGCTTGCGCGCCAAAAGCAGTCGCGTTTTATCGATAACGGCGGAGCAGTATTG
CCTTAGCGCTTTAGCGAGATTCCAGCGTGCTCACTAAATTGCATAAAAAGTTAAATAAAA
GAAAGTTGGATAGGCCGCGCAGCAGCAGCACCACCAAAGACCAACCATCCCAAGATTCA
CGGCAATCACGAAAAGTACCAAGAGTGCAGTGCGCTTGTGCGAACCTTGCAACCCA
GCCAGTTGTTCCGTTCTGCTCTTTTTAGGCGGCCGCGTTGCGTGAAGACTGAAGTGAAA
ATCGTGGTTTTCCAGAGTTCCCGTGTTCGATTCAATTTGAACCAGACAGGATAAGATGGC
>EP78246 (+) Dm CG12876; range -499 to 100.

GCTGCTTCTTCTGCGGAATGACATAGAACGGGATTCTAGGTGTCACTGGGATATCCAAGC
CAGGGCTCCGTATATCAACTCACGTGCGAATTCTTGACAAGGCCTAACTACTCTAGTAAG
CGTGCTTCTTGTACGGTAAATTTCTAAGAAAAACCAATAATTTTCGCACAATTTCTCGA
CAACAACGCAATCAGAAAAATAGAAAGTCTAGGGTTACCTTTCTCTCGCCGAGAGATGCC
ACACTGTTGAAAACGTAACGACAGGGCGAGAAACGTAGCAATGTGCATACGTATTGAAAT
AGTGGCAGCTCTGGTAGTTACCGGTTTATGTTAGTAATAAAAAACATATAGAACATAGAA
CATAGAAAAAATATTCTATTACTTTTTTTAATAGTTTACAATATTAAGTATCTTTGACA
AAAATTCACCTTTGAAGTATAGAATAAATCCTTAGTATTCTTTAGTGGCTATCGAAAA
CGGTATCGACGCTGGACATCGCTGGCCAGCTGTTGTAGGGGAAGGAAAGAGAGCGTAAA
GCGGAGTTTGAATAGAGCGACAGACGATTAATTAATATCACTTTGAATCAGAAGTCGGAC
>EP78247 (+) Dm VHAAC39; range -499 to 100.

TTGTCAATTTGAATCTGTCCGCTTATTATATCCTTATGTGCAGTTCTTTTACGATTGAAA
TAAATATCCCCCAAATATGGCAGAACAAAGACTTTTTAATATCCGCCATCATCTTTGAA
TTGTTTTAATACGCTAAGTTGAGTGTTAAATAAGTTATATTAATGTTACTGACCATTGC
CTTTACATTTATCCAGCGCTCAACTTGTTTATTACCGCCAGTGGACTCTGCATTAGTTT
ATCATTAATAATAAGTCCACTGCATTAGTATATCAATAAAATATAAGTCTACTGCACT
TAGTATATCATTTAAATATAAAATGTAGGTTTATATTAGTATAACTGTAAACGAATATTCA
AGCTCGCGCGGAGTTGCCAGATCACAACTTAACAGCGTGCTGTTATGCGCATGTTGTCAC
CTGACATTCGCCTTTTTTAGTACCTTTTGCCTGACATTTGGTCGAGAAAAATATAAGA
AGAGGAAGAGTTGAAAATCATATGACTTGTGATCGATAGAGAAAAAAGGTTGAATTTTC
ACCGTCGCTCCGTATCGAACTGCACGCCCTTCGCCACACAATTCGCGCAACTTTTCGGTCG
>EP78248 (+) Dm CG3702; range -499 to 100.

CATGAAAATGCTATTTGCATTGTATACAAATAAATTGAAATCAAACTTGTATATAGAAT
TATATTTTAGATAAGGTTCAAATATTACATATTACGCATATTTTTTTTTATTGAAAAACC

GCCTAATCGATTAAATTATATTTTTAATGAATTTATGAAATATTTTTTCAGATATTAAACCTTTTGAATTTATACAAAAATATTCAAGTTGCTGTCCATTTTACTAAGAACAATAATTGAATACTAGGTTGTATAAGTATAAGTAAGTAAGTATAAGTAAGTAAGGGATATACATTTAAGCCAACGATATTCTAAAAATGTGTATTGCTAAATATGTCACATATAATAAATAAATTTGTATTTGACTTAGTGAAAAAGTATGTCTTTATAGTGAGAACACCGTGCTTTTCCATTCTGCGTCAAATCGATAGATTCTGAAAAATACCCCTTTTCGATATCGAAGTTCTAATGGCTCGATAGGTCCTCAACACTTACCTATCGATGACAGTAGCACAAAGTTGTGCGGAAAACGGGAACTAAGGGAAAAGCGTGGAACCCCTTGAGAACAGAGCATGTGAAAGCAGGCGAAGATC

>EP78249 (+) Dm CG2176; range -499 to 100.

CAGGCACCAAGAACTTCAAGGGTGGCTTTTACTCCTCAAGCTCAGCTCCAAACGAACCAAAGCCATTAGTATTAGCTTTTGTAGTCATTGGCTTAGCCTTAGGTTTCTTAACCTCGACTTTATAATGTAATTTTGTAAATACTCAAATCGATGTAAATATCACAGTAGTCACTAGATTAGCGTCTATGTTTCTGTAAATTATTGTACATTTTATGATCTGCACCTGCAATGTATTCGTAGTTATTAATGTTGTCATCTTCTGTGCGGAGAAATCCTGAACATACATATGTTTAACTAAAGATCCGTTACAGAAACACGTGGCACTCGAATTGGTGGTGGATTACGTTCCCTACATACTCAGAAGAACTGACCTACTATATGAGAACTCGAGCATAATCCACCACCCATCGAGCCACCACTTCTGGTTTATTCTGCGCATGAGTCTTGCCCAATCGATTTTTCTACTACATACATATCCCTCAATTCGAATTCGAGGCCAGCTCTTGGTGATAGACGCACATTTCCATCCGACTCCAGAATGCAGCTGATTCTCGTGGCGACCTTGCTGTGCCTGATAATCGGCAGC

>EP78250 (+) Dm CG9373; range -499 to 100.

TGAAATTATAATCCGTATGAGTTCTTGAGATTTGCCTTTCTTTCTACTTACCATACTGACAGATCAATCGGAGAGAAAAACAAACAGCCAATTAATTTACATTATATAGTTTGCTTTAAGCTTTTTATACATACATACATATTAATATTTAATTTTTTGTATTAATTTTTGCCATACAAAAAGAAACGAAATAAATCGATTGTGTGTACTATTTATGAAAAGTGGTTTTAGTTATTCATAGTTTTGCTTTTGTGGATTCTATTTTTCCATCTAAAGTCTCCTGTCTTGTTGAGCCAATATTCTATATTTGAATTTTGCCTTGCGCGCTAAATTGCAGTATGCCTACATTTCTGATAATTCGAAGAGCATTTTCGAATATCGGCGATGTCTAGTCGATAGAAATCTGAGACACGTCCAAATATCAAACCATCGATGAATGTGCTGTCATCGTATCACTGTCAACTCTAACATAGACTTTTGTACGGTTTTCTATTGATCTCGGAACTGTAGTTTGTACAAAGCGTTTGTTCATGTATATAAATTTACTACGCCGAAAGCAGCAAAATAGAAATATTACCAGTATTAAGAGCAC

>EP78251 (+) Dm BCDNA LD21529; range -499 to 100.

GAAATTTAATCATATTCACACCCAAGTGTATGTAAACATTGCGAGTGATAATTGTTTTCGAAGTGTCAAGTTTGTAAATGTACATAACAACAATAAAAAACGATTTAATAAATCCAAATACAAATTTGTCTTTCCATACTATTTTCAGACTTGGCAGATTTTACAAATCAACTTTAGTTTTACTTATTATGGTATATATAATTTACAATCAAATGGGAAAAGTGCTGTTACAGTTTTTACCATCAGAACAAAATCTCAAAAATTAATTTTCATGCAATGAAAAAACTAGAACTTGGCTTCTTTTTAACATGATTTATTTTAATAATCTGTAGATGTAAAAGAAATTTGATGTATGTAAGAGAAATCGCATACGTTCAATTAATAATAATCCATTGGCGCCTTTTTTCGAATTTGAGTGTGCGTTGTTCAACACTAAGGCCAACTGCGCAGTGAAAAAACAGTGTGACCGCAAGGCAGTAATACAAAATCCCTTTCTGGGTGGCAGCTCCAGCAGGCACATGTGTTTCTCTGTATTTACAAAAGATTTTACGAAAACAATCCAATAATGGTGGGTAAAACACTTCTAAACTG

>EP78252 (+) Dm LAC; range -499 to 100.

AGAGAAGCCCAATGTTGAACACTAAACGAAAACTAAACACGATTTATATATTATCCATTTATAATATGCATTATACAAAAAGTTATACCATATAATCGTAACGGCATAGAGCACGATATAGAGAAAAATCCGACATTTATAGAATTATACATAACTACTGAATAAAATAACAAGAAAGAGAAAAATTAATAAAAAGGCATTTTAAACAATCACAAAGAAATGAACGTTTTTATTTTGAATGAAGTTACTAGCTTGAAATTTCAATTTAAATTTCAAATTAATTTGAGGATGCCATTGGTTCCAAGAGGAATGGCGTTGCCATCTGATTTTCGAGTGTGTCTCCACTTAGTATATCAACCATATGCTATCTCTGGTTTGAGTCTGAGCTATGTTGCATACCGATAACACTACTGTCTTTATTTAGGCACATTTCAAGGTGGCCATCTCCAGGCAAGTTGCGCTCTTGATGGCGCACTTTTCAAAGCCAGAGATTCATTCGTTTCGCGACTTTCGAACTGTGAAGTTGTCTCTCCGGCGCGTTATCTCCGTCTTGCCAAAACTCGTGACTGATCGAGAGAAGAAGTCTGAAACCAAG

>EP78253 (+) Dm CG7998; range -499 to 100.

TGAAATGCATACTTGGAACCTACCAAAATAGTTCAATTATGATCATCATCATTTTTGATTGCATTCTCCAGTAGCACCTTATTTAGCTGCATAAACCTTAACATTTATTGGGACAAACAAAATAAATAAATCTGGTTGCTATCGAATATCGATAGGTCGATACGATTCTGCGGCTCAATTGAACATGGCTTGCAACTGAGTTAGCAGCTCCATTTGATTTGTATCGATATGCAGGCTCAAATTTAAATTTGCTGCATCTAAATATGCTGCACTGCAACTGCAATTTAAATATTTCCATACGAAAGTATGCTTTTCTTAATATTGCAAGCATATGGCCAACAAATATCTAGTTCATATGCACATAAAATGTTCCCCCAAAATCAAAACCCAACGAAAAGCTTTCATTCAAGTAAAAAGCTCCCTCAGCGAAAGCAACCTGTTCTCCCCCGCCCCACGGCAACAACAACAACATGGATTCGCAATCTGTTTCATTGGCCCGTGGGATTTTGTGGCAGAACTGCTCTCGTTTATTGTTTTAACCAATACATTTTGAACCAAAACCCGTGCAAAATATGCTGAAGCAAGTGAC

>EP78254 (+) Dm CG10992; range -499 to 100.

GGGCATCGTGTGTCTGGCCACCAGGAACGCCAGTAGTCCGTAGAAAAATCCGCATCTTTG

CGAGCTCCTTATCAAAATATAGCTAGCCAGTGTGGCCACACCTTAGCACAGCTAACAGAG
CTCTGTTATCTGCGATGGCCCTACCGATAGTTCTGATTTTAAGCACACGACAACGAATGG
AAATAAATAAATGCAAATAAACACCTTTCAAGTAACAGTGCTCCTTAGCATATTTATTG
GCATTAGTGTGATCGTAGTCTTTAGTTAAGTACATTTAGTGAAGTGCTATTTAGTATAAT
GCGTTTATTTATTTAGACTAGTTACCAATCACGCGCCCATCTCTACATTCGATAGGCAA
CGGCCCTGTTGCATTGGTGTGCACACACTGGCCGCGTAATCAGCGGGCGCGAACCATTTT
TTTTTTTTTTGTGCGACAGAAACAAAAACAAGAGAATAATAGACGCTTAAAGAGCATTAC
CCGTCCGAATTTACGGGCAGTACGAAAACAAGAACGGAGCAGAGAGCCCGCTTAATACG
ACGCGTCATTTTCCACCATTTTACTGCTGTGATTTGTTGAATTTTGTGTGTCAGCGCA
>EP78255 (+) Dm CG5468; range -499 to 100.

GAAGTTCGTTGGATGCTCCGCTAAATGTTTATAGCATACAAAATATGAAGAAAATCATTTT
ATTTACTGAAAGCATGACCATTTATAGTAGTGGCTTTTGCTAAACGAGTTTTCAGCCGTT
TCCTCCGCCGAGAGCCTGCTCTATTGGATTACAACCTGACGGGTAGGGTCGTGTGCCTAA
AAATTTTCGATGATGGTACTACGACTTGGACTGAGGGATCGTGGAATTAGCATAATGTCG
ACGCCAACATTTGCAAGAATAGGGCGGCCAGGTATCGATGCGCTTTGTTACGTCGGCTT
GGCCATTGTTTTATCGCACAAAGCTTCGTTTTTCGAAGGTGGATAGCATTTCAGAGACAA
AAGCTGCCGAAGAAGTTACCAAAAAATGCTCGGGAGCCAACAAATACAACGATGGTAAAG
TCTGCATGAAGTTGAGCGCAGTTTATGTGACACCGATCGTTGGTTTTCTGTATAAATATTGG
ACCTTTTCGGTGATGCAAACGTGACACACAACCAAGTGGTCAAAGTCAAAGAACTAAATTC
AAAATGCGTGCCTTCATTGTAAGTATACGTTTCGATCGCCGACGAAATACTCCAAAAGGAT
>EP78256 (+) Dm CG8231; range -499 to 100.

TTGGCCAATAAAAAAAACTTTTAGTGTGGGGTTGGGCGCACGGTTGCATTTTCATTT
GCTAATCGCCATCGGTGGTGCAGGTGAGCCGATTAAATTGTGCGGCTTATTTGCAAGT
ATTTAGCGGGAAATAGCCATTACTAGCGGGAAATATATTACCACCCTTAAGACCTTCTTT
AATACTCATAATCATATAATCTTTGTAAATAACTTAGATATTAAGAATCGCTTAAATTGA
TACCGATTAAATTAAGTTGCCAAGAAGGGTAATGGTACGCTAGTCAATAAAATAATTTT
GTTTAATAAATTTAAATAAAAAAAGATATATATGAAACATTTTTTAAATGTCATTT
TGCATGTAAGCCACCACAACGAAAAATCTAATTAGAAATAAATAAAAGTGTTACAAATTG
GAAGTGATTACAATACTATCGATTGTACTGCTTTGAAGTCTCTAGTTGTCTTTCCCCCAT
CTGGTCACACTTGCCATCTGATTTCTTCGATTGCGCTAACTTTAAGCGTGCTTGATTTG
TGCCGATTCTATTGATTTATTTTGGCGAGCTAAGAAAACTCTGTTTAATTGCGACACG
>EP78257 (+) Dm BCDNA RH03295; range -499 to 100.

TGGTTAACTGCGCTTCACTGCCCCAGGATAATGATTTTCCCGTTCGTTGCTTAGGTTG
AGATGCTGCGGTGGCTTTGCAAGGTGTGCAAGTGTATTTACAATCTGATGCACTGAATTTT
ATAAAACAAGAGGGGAAAATAATTACGCGACACGTTGTTGTTGTGGATGGACGATTGGTAG
CCGACTCCAGCCTCGATAGTCCGACACACAGTACCTACCTATCGTCAGCGGTGGGCGCG
TGAGGCGATAACTTCTCGATTAGCTAGAGCTGTGTACGGCAGCCAGGGGAGGATACAAA
GGAAAAATGTCAAATTACTTATTACAATTTGGCATAGAATTGTTTTATTTTGTTTTTTA
TTTATATTAAGCCAATTAACAGCTTTGTTGTACGTAATTTAGAAATCACGGCCAACCACT
ATCGATATAATTTAGCGAACGAGTCACGACATTATGGATGTAGCCCATCCCTATTTACTT
GTCAAAACAGCAAATTTTTCATTGCGGCCAAGAATCGACTGAAAATATGTCGCTATTCTA
AACACGCAATTCGCCGCCAATTCGGCGCTTCTGCCGCCGGAATATGTCGGGCACCGCC
>EP78258 (+) Dm OBP44A; range -499 to 100.

GCGTTCTCTTGGAATGCTAATGTAATGGATAGAAAAATCAAATTAGCTCATCATATAAAA
AGAAACAATATAATTGTTATCCTCTTTAACCAGAAGTAAATGCCATTTAAATAAAAAATTT
TTTTGCTTCATGATAATGGTATATACAAAATAAGAAAAATTATATCGAGAAAATTACTA
CTGCTGAACAGTAGTAAAAACCAATACTGCATTCTAACATTAAGACCAAGCCGAGCGGC
ATAGCCGCTCTTCTCTATTTGCCAGTATCCCTGCAAACTCTCAATCCTAGATATCATTTT
CATATATCAGGTAATCCTTAATTTCTCGTCTCCTCAACAACCTCGACATTATCAAAAAAT
TCCATAATGAGATTTAAATTAATTCGCCGGCGAGTGCAACTCAATTGAGCGACACTCAAAATC
GCCCCACAGTTGAGTGCACATACCCACATTGAGCGGGGCTCGAAGGTATAAAAGCTGGA
GCAGCCCAGACCACAGTCAACAGTTTCTCCGAGCGAGCATTAGTCTCTACACAATCTA
TCACAGAAGCCAAAAAATAAGATTACCATGAAGAACGCTGTTGCTATTCTGCTGTGC
>EP78259 (+) Dm CG3305; range -499 to 100.

GCTGTAGCGCTCTTCGCTCTCTCGCTCTCTAACAAAAATTCGAGAGAGCCTGGAGCCACC
TCTAGAGCCACGGCGAAAAAATCGTGTGCCAAAAAATCGTATGGCGTTACGCATCTTGTT
ATTATAGTGTCTTTGGTAATACCTAACATTTTTTTCATTAAGTCAATGAACTCAAATATG
GAAATTAATTTATAAATATTTCCACTGTGTATAAACCTGTGTGTTATAAACCTGTGTT
ATATAAACCCGTGATAAAATTATAACATGTTATACATATAATTCTTTTCGATTGATCAGAA
ATTAATGTTTGATAAGAAAAATGTAATTTGATTATATTATGGAATTAAGAATATATT
TTTTGGTATATTATTATAAGTTTCATTAATATCGATAGACATCTTGCTGTAGTGGA
CATGTACTATTATTACGGTTCCATATGGGCTAATTTTAGTTCTTTTAGAAATTCGGTCAC
ACTATTGATGAAGAAGGTCAAATAAAAACTAGCTCAGTCGAGACAAAAACGTATGTGTC
AGTGTAGTAGATTAACGTATAGAAAACTGCAACACAACCTAAGTGAGATTGCCATTCAA
>EP78260 (+) Dm BEST GH10831; range -499 to 100.

ATCCCAGCGGGAGTCGTAAACACTTGGCAAACACACAAACACACAGAGCGACGCCGAAAG
AAAATGTGCATCGAGATTGCGTGGGGAAGTTGGACGAGGGTTCCGCTTTGGCAATTGG
CAATCCTTGACCCGTCATAACGTCTCTTTTTCTCCCTCGGATTTCCCCACTGACAGCTG
AGTTAAATGAGATATGCTTTTTACATTTTTTCGATAAATTTCCAGCACATGCATTGGATC
GAAGGCTTTTGGGGTGGGATGAAATTATTAGCCAGCGCGAACCTTAACATACAAATAGCC
AGCGGATTTGCGCAGCGCTTAAATTTAGATTACTGGGGCAATTTTATGGCATAACGC
AAGAAGCTGGCGCAGCTGAACCAATTTGGGGAAAGTACTACTTATGCCAAGACTCAGC
TGCTTATCTAGTGACATTGATAAATGCCCGGGCAATTAGTGCATTGGCTATATAAGGGAA
GCTTCCCTCTCAACTTGCCATACAAATCAACATGCGTTCCTATTCTGGTCTGTTTGGT
CTTCTGCTCCGCTTGGTCTTGCCAGAATCGGACCTCTTACCCACATCTCCAGCACCCGG
>EP78261 (+) Dm CG4716; range -499 to 100.

ATGTATTCAACAAGATTTTGGAGTGTAAATTTGTTTTAAATAATTCTGAATACAAAA
TATTACCTGTGACTGGTAAATTTACATTTTTTGTCTGTGTACTCGGATTATACTTAT
ACATTTTTGCTCATCTGTTTTGAAGTAGCATCAATAATTACAAATTGCGCGTCGGGATGA
TCTGTAGTGATCCGTGGGCTTATCAGGCCTGACTTTGGCAGCTCGATAGTGCATCGCGTT
CCACAGCCTCTCAATTTGTGTGTCATGAATTATGCAAGTGAGTCTGGATTTCTGGACTCGC
AATTGGCGCAAACCTCGGAAATTTGCGCAGTGCCGCGGAAACTGAAATGGGAGAGAGTGTT
ATGTGCAATCTATATGAAATATATGTATTTATACATTGCAATTTGATGGAAGCTTTAATT
ACGGTTGCACCCGTAATCTGAAAATCTGGACAGAAACGAACTTTTGAGGTTTCTTGGCAA
ATCTTTGCCATCGGTCTGATGTCAGTTTGCAAATAAGGTCTTGGCGCAAAGTGTGCCTAG
AGGAGCACAGGAGAGTTTACATACCTTAAAGGTTATACCACAAGGACTAGATCAATGCA
>EP78262 (+) Dm BCDNA GM09489; range -499 to 100.

TCGCACACCCAGCCGGCCAGTGCATGGCCACTTTCTTTCCCGCAGTTTCAATATGGGT
TTACGTTTCAATGGGGCGTTAAACACCCCATATTCCTTGACGCCCATTTAAATAAGC
TAAACAAAAACCCGCGAGAAATTCGCAACAAATTTAAACAATCGCTTCTTCGTGAGAGT
TGCCCAATCAGTTACTTTCTAGCTACTTGAAGCTATATTCAAAAGCAGCAAGTGCAAAG
TTGTGACAATAATTGGCAATGATAACTTTTTTAACAATAATACATGATGCTATTTTCAAT
AACAAATATTATACATATAAATGTCATCTTATTGATTTTAAAGAACATTTTCGTTTTTA
GCTTTTTTTGAGCTTGTCTCTAGCTACATTTGACAGCACTGCGACTTCCGCCAGTCACTG
CGAAGCATGCTCGATAACCGATAGCGGGCTTTGTTTTGACAGCTGCACAAGCGACCGCTG
CGAATGGCCAGTGGTCAGCAGTCTCTTCTTCTTCCACGTCGACGTGTCGTGTCAGCCAAA
AGAAAGTCGAAATAAAATATTGAATTGAAGCTGCCCTTTGCGAGTAGGCCCGACAAAAT
>EP78263 (+) Dm CG8636; range -499 to 100.

ACACCTGGCATTCAAACCATTAATGCTGTGCCAAACTACCAAGTACCCCCACCAACG
ATGCGACTCAAAAAATCCCATCCTTATGATGACCGCTCGAGGACAAGCGTCAATTAAGA
GGGGAGGAGTTATTGCCCTGCAATTGATTCTTAACATCTTGTGGTTCCACATAGTCTCC
GCTGCCATCAACGCCAACGAACGGTTAAGCGCGACATCGACACTTCTGCGCTGCGCCGCG
GCCGACGCTGCTGCGCCGCTGCCGACGACTTCACTTGATTGCTAGGGACTTAGGGAAAC
ATTTTGTACGCTAGATTTAGTTTCAAATGATAAATTGCAATAAACGGTCGCTTGCATCT
TCAAAATCAAATCGATAACTTATTAACCTATATGTAACGAAATTTCAAATGGTATATTCC
AAAAAGTGCAAAGTGGTATTAGCGGTATATTTTTTGGACACACACGGCATATTTTTGTGA
CCGCGGCAGGGTAACACTCTTTTGTGCTGATTAAAAATCCGCTTAACCTGTTGGCGAAAT
TTGCATTTACGATTTTCGATACAAATCGCGTTGAAAATCAGAGTGAGTGACCCCCAAGCA
>EP78264 (+) Dm CG8258; range -499 to 100.

TTGAATTGCATTTACCGACGTTTCTATACCCTTGAAAGATTTATCAAATTATATGCAAA
CAAAATTCATCGAGTGAACAATATAATAAACCAATGGGAATGTGAATTTTTTAAATAAAC
TTTTAGTTTTTAAATTAATAATAAATATTTTACTCTAATTGTTTTAAATTTCTCA
AACTTAAAAAGAGTAAATTTCTTTGCAACTGTAAATATTACTTATTTGGAGTAACCTAT
ATACATTATCTGGATTATTAAGTAAATGCGTTCAAAGACCAAGAAATAAATCGATTT
ACAGGATTCTTTGGGGCGTAAACTCCACTGCTGAACTATATTGTTAATTGCATGCTATTC
ATCATAAACCATTGAGAATCGTTACCTTATTGAAAAAGATCAATTCAAATGTAAATAAA
AATAAAATAGCGCCAGTCACCGTTTACGATAATCGATAGGCAAGTGCCATCGCTATCCCA
TCCAGAATGTTGCGGGCCACTTTGAGGTTATAACTATAGCTGGAATTTACCGACTGACTC
CGTGTGAAATTGAAATCTGTGTTAAAAAATGGCTTTATCCGTTCCCAAGGCTCCCGGTGT
>EP78265 (+) Dm SDHB; range -499 to 100.

CTTTTAAGCATTAGCAATAACTCAACGTTTCGTGCGGAGCACGGCTAGATATCCTTCCTAA
GGAGACGATTCTTCTACCTGTATACTTTTTAGAGAATCTAGTACCCTATGAAAACCTC
TTACCGTTATAGTATGTTCTAACATCAACTTTACTGACTGGCCATTATTTCACTGAAATC
ATTCGATTATTTTTAAGTCTTAGTACCTTATGTTGGGAATATAATCATATTGTGGTTAAG
TTGATTTTTATACAAAGTGATTAGGCACGATTAAGCCAACCTCCAACAATGTTTATTGTTT
TAACCTACTTTTCGGAAGAAGCTGTAGCATAATAATAAATTAATTGTTATAATAATTTG
TTAGTTTTATCAACAAGTGTTCCTAGTTTAAATAGAAATTAATTCAAAGGTGCAAA
TACGTTACAGGCTGTGTGACCAAGTGCAGCATGGTATATTTAGTGCGTTCCCAACACT
CGAAGCCGCCACGGCCACACTGCACCCTCAGTTTCGTGCAACTTTTGTACGCAAATAAG
AAAAACATTAATTTGCTCTCAGCAAATCGATAATTGCAAACGAGTGCCGTTTCAATTG

>EP78266 (+) Dm CG9953_1; range -499 to 100.

GAAAAATATAAAAAACAACGCATACACATGCACAATTTCTAAAAATTTTGACAAATACAT
TTATTAAGCTTTTCGCATTAACGGCAGAGTAACTCCACAATAATATTTACCTAATATAT
GGAATAATTCAAATAAACTATATGTTGTTTATTAAGCTACCTAAAGCATTGAAATTCA
GGAAACTTCCATTAAATTAGTTCAGTGAGAATTTAAATTACACGCAGATGGAAATTATC
AAAGCATGCAAGAATGTATACTTTTCTTAATTACTTGACAAAAATTTTGCAAAACACGTT
CACATTTACGGTGCTATTAAGCTCATCGATAATATCTAGCTAGGAAATAATATAAATAAA
TAAAAAGCTAAATTAAGTTTTGTAAAGTTACCAGAACACTTACAGCATACAGAAATCTTT
CTCTGCTTAAAAATTAATTAATTCAATTAATGATTGAAATCAATAACTATGAATGCCCCCT
ACTGTTTTAGTTTTGCTTTGCCGGCTTTGCGAATATAGATAATACAGCGAGAAGTGAATA
ATCAGGAGAGTGCGACACACATAACGGTGCTATATAAATAGAACACACCACTCTCCTTC

>EP78267 (+) Dm CG9953_2; range -499 to 100.

TACCTAATATATGGAATAATCAAATAAACTATATGTTGTTTATTAAAGCTACCTAAAGC
ATTTGAAATTCAGGAACTTCCATTAAATTAGTTCAGTGAGAATTTAAATTACACGCAG
ATGGAAATTATCAAAGCATGCAAGAATGTATACTTTTCTTAATTACTTGACAAAAATTTT
GCAAAACACGTTTCACATTTACGGTGCTATTAAGCTCATCGATAATATCTAGCTAGGAAAT
AATATAAATAAATAAAAGCTAAATTAAGTTTTGTAAAGTTACCAGAACACTTACAGCAT
ACAGAAATCTTTCTCTGCTGCTAAATTAATTAATTCAATTAATGATTGAAATCAATAACT
ATGAATGCCCCCTACTGTTTTAGTTTTGCTTTGCCGGCTTTGCGAATATAGATAATACAGC
GAGAACTGAATAATCAGGAGAGTGCGACACACATAACGGTGCTATATAAATAGAACACA
CCACTCTCCTTCAGTCGCTATTTACAGTTAGGCACTGTGCGAGGTTCCAACTAATTAAT
ACTTCAATTACTGGCAAATTTCTACTTGACCCGAACAAACAAAGGAAGCAAATATGCTTTT

>EP78268 (+) Dm CG2277; range -499 to 100.

AAACTATATTTTTTCCATTCCGGTACGCTTGCTAGGGATGGCACAAGAGTCGATTGCGCC
AACGATACCTAAGCTGCTATCGAGTTCCGATAGCTTACACTTGCTTATACCTAGCTAAAT
CTAGCTAGGAAATAAGCCAAGGAAGTAAGTCACTGCTCAACTTCAAAAGGTTGGCAGC
TCTGGCAGTTGTAGACATACATTTATAGATTGAAAAATGATTTTGTGAGGACTACCTAAGT
GATAGTGAATTTTCGGCTTAATTTTAAATTTAGATCACGCTTCGGACAAATGAGATGTGCT
AGTTGATAAGATAAGATGCTGGCGCTGGGCAGAGCAGCCACCGTGGGCGCCTTTTCCGCC
CCTGCCCTTTCACTTCGACTGGCCACGAAAACGAAAACGAAAACAAAACAAACGTACAC
AAACAGGCCCAACAGATGTTCTGCTCCTGTTACGCAATCTCGATAAATTGGCGCAAAAT
TCAATGACGTTAGTCAGAACACCGCCGGCAGCAGTGGGAAGAGCAACACGAGAAGTGACG
GGTCAGCAGCAGACAGTTAGGCGCTTCCACAAATCTGCAGGGGGAACTCAAGGTATTCTG

>EP78269 (+) Dm LSD2; range -499 to 100.

TTTTCAAGATATATGTTGCAAAGAAATGTTCTAAGCTCATTTATATTATTTGGTTATTT
TAACCTTTTTATTTGTTTAGCACTGTTTTTCACTGTCTGCGATATTTTATTACATTATT
ATTATTTATTACTCAACATTTTTGATAAACAAATTTGTGTATGGTTAAGTACACAAGTTC
GAAGATTTTAATATTATAATTATATTTTGTAGTAATCGTGCTTGTCAAAGCTCATGGTTA
AATTTTAATAATACAAAGTGATTATAGCCACATGACCCTTGACTAGGCATAAATCTTGG
AAAAAACACACTGCGGTTTGAACAAAAAGTAAGCTCTATTGGTAAAAACTGTACTTTTTA
GCTATTTGACTAAAATTTCTCATCCACTTCTTGCCACCTGCGGCATCACTGTTGCTCAT
AGCTTTTTTGTGCTCGGCGCTGGCAACACTGGCGGCGGCACTCGCTCATATAATAAACCA
GCCGCGCAGCTCGCAAATCAGTCAGAGAGTCCCAACGAGCAGACGTGAGCAGACGTGCCA
AAAAGTGCTAGGAATAAATAAAACAGAGTGCTTCCAGAACGCAGACACACGCATACCTT

>EP78270 (+) Dm CG2233; range -499 to 100.

TTAACAAGTAAACGTAACATAAAACATATTTTACCTTTAATGCGTACACTTAGTATT
AATGAAATGGCCGACAAAAGCAAAAACATAAAGAAATGAGACAAAAAATAAATAAAAG
GAAAAAACAAAAAACTAAAGAAAACAGAGAAAATTTGCAAAAAAATAAATAAATAA
AAAAATAAACAAAAATTCATAAAAAAACAACAAATAGTGTGTTCTTATTTTCATCG
AAATTGTAATCGAATCGTTATCAATAGTGCCTTTTTCTATATTTATATATTTTTTACAT
ATGCACAGTAATCAATGGATTGATTATTATTGTTTATTATTGTTTATTATTATTTTGT
ATCTCGAACCTCAGCTGAAATAATCGCAAAAGGGTCGCAACCTGCCAGCAATCACAAATC
GTGCGATAAGAAGGTTATCTGCAGCATCAGCACCTTTCTGGGGGCTATAAAAAAGTGATC
GCCACCGAATGGGGCGATCAGTTTGAATTCGTCGCGATGTTTTCGATTAAACGC
CGTGATCCTGGGCATTTTGGTTACTTCCGTTATGGCCAGGATGCAAGGGGAACGTGTGA

>EP78271 (+) Dm CG7738; range -499 to 100.

TAAATATGGCAATCGACCTGTCACTTAGCTGCCGATGCATTTAGTAAAAACCCATAAAA
CAAAACAGGTCTCAATTGTTGGCAGTCAACGAATCCTAATCGAATGATCTATGTATGAAA
CCACTTAGGAGTAGCATCCCACAACCTTTGCAAAATGAGACATTAATAATTTGGAATGAT
TCAGTAATGACAGCCAAAACAAAAAACAAGAAAAAATGGTACACAGAATAAAA
AAAGAGTGTAATATTTGTGTGGTGAAATATATAGCGATACAAACAGAACCCGGTTAAAA
AAGCCCCATAACAATCGCACCTAGAGGCCAAGTAGGTATATAGTACATACACAGTATAGT
ACGACTATGGCAAGAGGTGGTGGTGGAGCTATTGGAGGGGGGTGCTGTGGAGAGACCCGA
CTCATCGATGCGTATGAGAACAGGAACGTCAAGTGGCGAGATCTTCGCATATAAGGCCCG
CGATTGAGACGAACAAATCATCAGTTGCACGAGTCTGTGAGTCTGTATCAGCAACCCAT

TGAATCAAGCAGAAAGCAAGATGCGTCTAACACTTCTGGCCCTCATCGGTGTCCTGTGCC
>EP78272 (+) Dm CG5554; range -499 to 100.

GGTGCTCCTCTGCTGCGGAAGCTTGGCTGCTCCCGTCCGTTTGTCTGCAGGAATAGGTCTG
GTCGTCCACGTCCTCGAATCTGTCCACGTCATCGAAGTGATCGTGCAGTGGCTGCAGGTA
GTTATGGGCCATTTCTTGCGGAGGAACTTCCAAATGTGAATTTTGTATGTTTT
CGTAACTTTTATTTCTTTGTTGTCTGGAGTTATCGATTGCAATAGCGATGGTACA
AATGTAGTATTTGTATGCAGTTCAATCGACTTATAAATAGCTTGACATTGCAGAGGCTTC
AATAAAATAAGTTATTATAATTAATGATTTTGAAGATACGATAAAATGAATTTGTA
TGTAAGAAAACCTTGAAGCTTGATCTAATAAATAAAAAATCGTGTAACGAGCGAATACCGA
CCGAATCCCCCTACCGATGATCTAGCGGGGAATAAAGCGCTTGCCATCTCCGATGGATA
TCGAACCAGCACTTCTGTCAATTTTCCAGCAGGCGTCGAGTTTCTGTAACCTTTTGGAA
CTGACCAAGACGGAAGCTTTAGTTTAAATTAAGAACTGTGCGAGCCGAACGTCACAGGT
>EP78273 (+) Dm CYT-B5-R; range -499 to 100.

GCAAAAGAAAAGTGAACCTCAACGTGTAGCCATGCTAATAAACCTTAGTAAATCGCTGAAT
TTATTCCTATCAAATTATTTATTTTATTGGAGCTCTTAGAGATAAGACTACCCCAACA
ATCTCAAAAGCTGATTGCTTTGCGCTAGACCCACGCCAGCCAAGCGAAGCCTCAAACCTGC
CGCGATACCATAACATTGTTATGGCCACCGCACTGACCTATTGTGCGCGAAGTCTGCTCG
AACCGCCCATGTGGTGCTTAGACATGCCCACTGCTTGAGATTTACCAAATGAATTAGCG
ATTAGAACATACTGCTAAAAATATGTGAGAATTAATAGACGTAATAGTTAAAGGCGGC
AGCTGCGCTGCTCTCTGATAACACCGGCGCTTATCAAATGGAACGTTTTGTTTGA
AATCTCGATTTTGGTTTATATAATCAAAAGAGATTTGCGCTACACATAAAATAAACGGA
CCACTGCCGGTGCTTTTCAGTTAGTCGTTGGAATCCAGCGGAAAGGTGCTCGGATCGGT
AAAGTTTGTGCCACAGACGTCAAGGATCAAAAGGACTCGGCAATATGGTAATCGAGGAGT
>EP78274 (+) Dm CG5214; range -499 to 100.

TGCTTTCCTGGATAATTTGTTGGCCTGAGCGGCATCCTCCTCGCTGTGCGAAAAGGGACTT
GGAACCTATTTTACGAATATTATATTATGTACGCGGGCGTTTCGGATCGGTTTAAATCGC
TTGGCAACGTTTCGCGAACTTTCTGCAATGGACAGCAGTTTCGAGCAATGTGTGACCAGAG
CAAAAACCTTATCGCTCACAGAAAGGTTTCCAGAGTAAGCTATATTTAAATAGTCTATAA
AGTTCTAAAGTTCTGCTAATCTGTAATAATTAAGACCACTTAACCTACTCAGGTTATTG
CTAAACATTAGATTGCATTTATTTGATTATACACAATTAACCTTATCAAGGGCATCGA
TAGTTTGGCTGCTGTTCTGGCCGCACTTCAAGATAAAAAATACCGAAAGCCGCTATCAGCT
GTTTGCAAGCTTTGCGCGCTTTTCCGCCAGGTGACGCTTTTGCCGTTTCTGTATGACAT
AAGAAATTTGGTATTTTAAAGGGAAGGGGCGGAGTGCAGAAATCGACGTTGCTTTGC
CTTGCCCGCTAACTCTGTTTTAAATTCGAGTGCTTTGACATAAATTGAAAGTAGAACAC
>EP78275 (+) Dm CG5525; range -499 to 100.

TCCTTACATTTTGACCATGTTTGGATGGGAGTCATCATTGGCCCCACTTATGATGATGCC
CTTGAGCTTGATGTTGCCGGTGAAGGGAATGTTGAAGAGGAGCTCTTCATCCGCATCGCT
CTCCACGTACTTGACAGATCCTGGCGCTTCTCGTACGGCTTAAAGACACTTTTCCCTG
GCCATCCGCTCCTCGTTCAAGCACTCCACATTGTCCAGATCGATTTTGGTGTACAAGCT
GTACTCGATGCCATTTCTAGGGCGTGGTCCACGTCCGAGGCCTCGTGGCTGCAGCCGCC
GTGATCGTGAGAGTGTCCGTGCGGCATTATTTTATTTTAAATTCAAAAATCGAACAAAA
ATTCAATGTAAATAAAGCAGCCGAGTCACAACGCAAAATACGGTCACACCAATTTGCCAT
TCACAAGGGATGATGTTATCGATGCCGATAAGTTGGCGGTATATTTGAGCTCAGCGAGTG
CGGCCACACTTTCCTTAACATTTTCGAGCAACGTGTTCTGTGTAATCGCTGTGAATTTA
TTGTAGAATAACTGTGTTTTGTTAAAAAATACTTAACCTTACATGGCGCCCAAGG
>EP78276 (+) Dm FZY; range -499 to 100.

CGTTTTAAGTTCGTGCAATGCAATGACATGAAATATGGCGAAAAATATCAAGAATGCATC
CCCGATCAGGGCCACTATGTACGTGAAGGCGGTGAAGTTGAAGGCCATCTTGTAATTCG
CTGGAGCACGTTCTCCAGGTGCTAATCAAGTGACTTGCTAATTATTATCGTAAATTCG
GCTTTGCAATTGTAGCGTGGGACTCACTGTTTTTTTTTACAAGGGCGGCATGATGA
CAGCTGTGCGCCAGGGATGCACTAATCTAAACGATCAGGCAGCACAGATGTACGGTCACA
TTGCAATGAGGCTAATAAATAATCAGCTATCCATTATAAATCAAATATAATTTCAATTA
AAGAAGCAATTTTAATTTCTAACGAATTATAATGTTTTGTATTAATTTTAATTTCTGTT
AATTTTCTCTACGCACAAAAAATACCACTAACAGTTAGCCGATGCGGTACACTACATTT
CCAAATCGAACCGCCATTTGTGTTGCATCTCGAAATCTGGAAAAAATTCGATCCAAGTGT
TCTATGAGCTTCTGTTTTTAATAATAATAATAAATAAATTCGATAATCAACTGACACC
>EP78277 (+) Dm CG32701; range -499 to 100.

CGAACAGTGCTGTAAATATTTGTAGCATTTTACCTCCGTCAAAAAATGATATTTGGTA
TAAAAAATAAATATATTTGAATTTTATAATTGCATAAAATATTATGTTGACCAAAATAT
TGCTTTTAAATGATAAACATGAAAAACACGAGGAATGACAGTTGCGGCGTTTGGCATCA
CTACTTGTCTCGCTAGAGTTGTGCGTGCAGTCAAAATGTCAACAAAAAAGCCAAGATCTA
ATATTATTGATTATTTTAGATATGAGAAAAATGTTTTTAACTATAATCAAATGAATGTTTT
ATGTATGACTAGGCAGAATGCCTATCCTGAGTAAGCTAAATAGCTAAAAACTGAGTAATT
GACCTACGGATCGAGAGGCCCTTGCAACCTTAGACGTGGCACCACGTAGACATTTGTCAG
TGAAAGTCGTGTCTCGGCTTCGTGCCCACTTCGTGCATTGTGCGCTTCTGTTTTCGCCGC

TATACCACCGAAGCCCGTCACTTCTTCATTTTCACTCGATCGGGAAGGTTGTGTGTGCGT
GCGTTTTTCCCTCAGCCGATTTCAGCCAAATTTCCGTGTGTGCGCCGCGCATTCGATT
>EP78278 (+) Dm R27A; range -499 to 100.

TGCCCAGGAAAAAGGTTTTGTAGAGCGCATTCTTCGACGCGGCAAAATTAAGCCAGC
CTGTCAATCATTATACACCGTTTACCCTGTAAGCTTGTGAGGAGTGCTACCTGGATTTGT
TATTTTAATTTGTAAGAGTATTAACAAATTTTCTAGAACTTAAATTTGTATACATGTTT
TTATTTAATAGGCGGATTTGGAGCATCGCTTCTACTTTTGTGCTTGGAAAAAGTATATGC
ACATTTTGGACCACGAAAAATTTGCGGTTTTTAAATTTTATTTTGTGTTTCTTTTATGA
TGATTTTTTTGATTTGTTTTATTTTATAATTTTGTAAATAAGGAAAAGTGATTGGATAT
GGCTTCTGGTTTCATCCAGTTTATGTTCCATTCCACGCGTTCCAAAAATAAACGCGTAGT
TCAAAATATAAAACAAAAGTAACTCCGAATGCAGCCCTGTGCTCAATTTTCAACTTCCT
GTCACGCTGTGTGTGTTCTTTCTTTCTTTGATTCTGTTGCCGAAGCAAGGTAAGTTT
TTGGGGTTGTTACATTTTAAGCATCGGTTAAGTGAAAATAAACATACAAATACATACTTA
>EP78279 (+) Dm CG7185; range -499 to 100.

GTGTGTGTGATGGTGGTCCCTAAAAAGGCAAAATTTATTAGAAGTATGCATATTTAAAT
AAGATATGCCTGTTATGGGTGTTGTAATGAATGTTAAGTATTTTACATGTGATTTTAA
ATAACAAAGAACCTAATGAACCTATTACACATTTCAAGAAAGTTCTAACGTTGGTTTTA
AAATTTCAAAATTCGATAGAAGTCGATATATTTTCAATGGTTTGTGTCCACGCTACGACCA
CAGTCAAATTTGAAATTGATGTCAAGTATTTGTGATTATTTTATGGTAATAATAAGCGA
TTTAGGTAACAAACACATCTAATTAATTTCTATTCATTAATATATTTTATCGTAGTTGT
ATTCTCATTAAGTGTCAAATTTGCGGAATACCCCAAACAGGATGTGGTATTTTCTAGTATG
CGAGCAAAAATATACCGCATAGGTTTTCCACATTTACAGTTTACAGTCACACTGCACCGC
TCCGCCATTTTACGCTGACAATTTTTTCGCAAGATTGAAGAACTAGTTCTGTGCACGAGT
AGAATGTAAATAGTTACAGAATTCACCCAACGGAACAAACGCGCCAAAGCAATTAATCA
>EP78280 (+) Dm MAD; range -499 to 100.

GCCAAATGAATGGGATTCTTCTGTAGCACTTTTCGCCATAAGGACACTCCTTCATGTT
GCTATTTATTATTTGATACTTAAACGAACACAATTAACACAAATAGAATTTTCGAAATG
CTGTGCAATAAAAAACACAAAGCGCGCTCAGCTGGCGATGGCAATTAATCGATTGGAAA
AATACCGTTGGATAATTAAGAAATATCAAAAGTTTGCATGACTTCTGAAATTAATAAA
TACAAGCGAATATAATTAAGAAAAATAACTCACTCACATTACAGTTCCCAAAATTAATT
TACTCATAACATCGATAACTCAATATATATTTAGCGGAGTTTGTTCGAATTGTTTTTGG
GTATAATATATATAAAGTAAAAACAATTTTAAATTTCTATTATAAACGATAGTTTCCG
GCAAGGCGATAGTCAGAAAGCTACATCTCTACTTATGATATACCGTAAGGAAGCTGGTAT
ATTTTCGCGAGTCATGGTCACACTGTTTTCAATGGTCAATGTTGTGTGTTGCAATTCGT
GATAAAACAATTTGAAAAACAATTTACGCACATTTGCGTGTGAAAAACCAAAACAAATG
>EP78281 (+) Dm CG5642; range -499 to 100.

GAAAAATAATTATCGCAACGCGGATGACACACGAACAGAATGTCTCGCTGCCAGTGTGACC
GTGACTCAAACGTGGCAAGATACCGAGGGAGTCACCAACTGGGTGCTTGTGCGTGAGCT
AAGCTATCGTGTGATTAAGTATATGAAGTATTTACAAATTAATTTCACTGCTACTATGAA
ATTAATTTTGGTCACTAATAATAGCTTTCCGTTAACATTTATTAATTCGTGATAGAAA
TTTTTTTGCATAGTTTTAAAGCCATGTAATATCATTGCAAAATGAATGATATAAGCAAAG
TATACAAATGTAATGGCAAAATAGTCAAATCCCTCTAAAAATATTTTTTAAAAATCTAGT
TTTCTTATCTATCCAGAAATTTGAAATAAAATACATATTTTACAAAAATTAATTTTGAAT
ACCAAAATCGATAGGGGCGTAAACATCGATAGTGTAGTAGTATCATTATCGATAGTTGG
TCACACTGTTTATCCCTCTTTTCGCCAAAAATTTGTTGGCGTGTGTCAATTTCTTAAGC
ATTTGATCGGTTTTTTTCGTTTTGTGTGTAACCCGGAGAGGATAAACAGCGACAATGTAC
>EP78282 (+) Dm CG9436; range -499 to 100.

TATGTAAACCGCCCCCTACTTGGGCTTTTTTCGGATGGAGTTGGTCCATGATATTAGACG
TTTGATTTTACTCTACCTTATCTGCTCTTTACGGCATTTGATTTTAATTCAAATTTGTCT
TAAAAATCTGCTTTTGAATAAATTTCCCGCTAGTCGCTGGACACAACACTGCCATACACT
CGCGATCGATTCAAGCAATTGGAGAAAACCTCGCATAGCTGGTATGCTATACAATTCAATT
AATGTGCTTCTTATGTTTTTAAACGTTAAATTAAGCTTACTTGTGTGCGTACCTTGAAA
TATTTTTATACATCGCGCCAGATTTTAGATCGCAATTCCTCCCCGCTGAGCTTTTGAAA
AACGCTAGATGTAGTGGGAAAAGGCCAGCTTGGCAACGCTGGTGGGAATAACCGCGCGTT
GTCCGTGACGTACCGGATGACACAGCAGTGCTCGGCCCGGTGACAAAATCATCGAAA
CCGGCTGTGCGAGCCAACAGTTGTCCGCGAAGCTTTTCGACGAGCTGGAACAGATAGAGAT
TTGATCGCGAGAAAGGCGTAGTAGCACTGGTTTAGACTTAGAAGCGTCCAATTTGCACAG
>EP78283 (+) Dm TAL; range -499 to 100.

CTGGCATATAAATATCAAAAAATTTGCTAAGATATGACTTTTGAAGCGGTCAAATATGGT
GATTTTCCGATTTGAAGTACTGGGCGAACTGAAATCTCAGTAGGTGACCAGCCTAGTCCA
AGTAAAAATCAATATCATTGCACTAGAAAAATCATCTAAAAAAATGCATACTTTTAAAT
TATCGTTAGTTTACGAAAATTTTCTCCGACCCAAAATGTTTCAGCGCTTTCTGTACAAGA
ACGAAAGTATGCACTTATTTATTCGTCCAATTACAAGTAGATGGTTATTTATATTTAACA
AGCTATTCACCTAAGATTAGCTTGAATACCTTATCATCACAGTTAAAGATTAAATGTTAGG
GAGCTAGTTTAACTCTGCTTAATTGTGAGGAATCCCCCTGATGGCCCCCTATATCGATTCT

CTAAACCCAAGTTGGGGCTGTTCAGTATTTTTCCAGAGCCGGGCGGTATAAATTGCCGCT
CCAGTGGCGGTCTTATTGCATTGAAGTTGGGCAATGGGAAGTGATCGCACGTTAAAAAAG
CAAAAGATGTCGGTATTACAGGAACTCAAGAAAATCACCACAATTGTGGCTGACACCGGC
>EP78284 (+) Dm CG15401_1; range -499 to 100.
TGCGCCAACCGCTGTCTTCCAATCGAGTTGCAATCAAATAAACTAAACAAAAACCCGA
AAACTCTCTCTGCAATCGCTGAGCGCGTACGTGTGAGTGTGTAGGTGTGCATGTGTGCG
GGTGGCGCAGGGCTGCAACGAAAGTATCGATACAGGTGCAGAGTGGAGATGATATTTTTG
TGAGCGCGAATATCGCGATTTAAACAAAAATAAGAAGTTTTTATTGTCCATAAATAAAAT
TATAAATTAGTATTTTGGGAAAAGCATAGGACCAATCAATGAATTTATAAAGTAAGATT
ATTTAGTTTTATTATTTCCAGCCACATTTAATTATAGGTAAATATAGGTATAGTAGGGT
ATAATAGGTATAGTATAGGTATAGTATAATTATAGGTATAGGCTTTATCGAAAGTCAACT
ATCGCATGAGCGCAGACTTCCATCTTCCATTGAATATACCGCTATTCATGGTATTTTCCA
ACGTTTCGCGCATACGGTCACTCACTTTTTTCATTTCTGTA AAAATCAGCAATCGAATTAAGT
GCTTAATTATTTGCATTATTTTAGAGCTTTCCGAAAGCTGCCAACGTAAAGTCCGCGAA
>EP78285 (+) Dm CG15401_2; range -499 to 100.
CGAATATCGCGATTTAAACAAAAATAAGAAGTTTTTATTGTCCATAAATAAAATTATAAA
TTAGTATTTTGGGAAAAGCATAGGACCAATCAATGAATTTATAAAGTAAGATTATTAG
TTTTATTATTTCCAGCCACATTTAATTATAGGTAAATATAGGTATAGTAGGGTATAATA
GGTATAGTATAGGTATAGTATAATTATAGGTATAGGCTTTATCGAAAGTCAACTATCGCA
TGAGCGCAGACTTCCATCTTCCATTGAATATACCGCTATTCATGGTATTTTCCAACGTTT
GCGCATACGGTCACTCACTTTTTTCATTTCTGTA AAAATCAGCAATCGAATTAAGTGTCTAA
TTATTTGCATTATTTTAGAGCTTTCCGAAAGCTGCCAACGTAAAGTCCGCGAAGCGCCT
TCACTGGCCGAATCGGAAATAGCAAAATCGAAGCACCAGAGATCGAAAGACAGCGCATTC
GATTTCGATTTACAATAACTGCGAACCGAGGGCGGAGTGGGAGTGTCTGCCAGCGCGGAG
AAAAGTGAACGCATTGCAATTAACATGAAATTTGCTGCAACGTGACGGGAGTACGACA
>EP78286 (+) Dm BCDNA GH07269; range -499 to 100.
AGCACACATTTTTTGTACTACAAGTACAAGCGTAAATTATTTTCCAAGTGAAGTGAAGCAT
GAGATGATGATGAGTAATATCAAAAATTCATTGGGACACTAGAAATGCTGAATTTAAGA
AAATTTATTGCCAAAGGAACAATAACAACGTCAAGTATCTCAAAATTCACAGAAAAAAA
CGGCCAAGTGACTATATATAAAAAGCATTCGGTGCATCCTAGCATTTCATATTTAAAGT
TAATAATAAATTAATAATTAATTAATTAATTAATGTTTTAATCAATATTTTACTGTT
TATTTACTAATATTACTGTCACTTGTCTTTTAGTTATACGTGCTGTTAAGGCTTGTTA
AGGCTGAAGTTAAAGTTTGAATGAATTTTTTAACTGCACACCAAGTTTCGCACAGTGTA
CTGACCACCGAGTTGCTCTCGCGTCTGCTCACGAGAAAAACGCAAAACACGAGCGGT
TGTTTCGCTGGCATAGCTCAGTTGTTTCGAGAACTTTGCACGACACAAAGCGAATATCGC
ACGCGGCAAAACAGCAATCGGAATAAAACAGATAGCCCGAGTAAATATTAATAAATTT
>EP78287 (+) Dm CG13841; range -499 to 100.
AAATATTTTCATAATATATATCCAACATTGTATGGCGTAATAGTACTTATTTGAGTCTCC
AAGGGTAGGAAGCCTTTGAATAATAAATTAATTATAGAGATTTATTAATAATTAATTAT
AAATTATTCAACTGACCTCGTAAATCTGATAGACAAGAATGTATTGCCAACTCCATATAT
GGGTTTCATGTAGGGCAGCCAACGTTCCGAAGACTGGCTCGTGTCAATCAAAGGCCAAGT
TCAGGTGTAATGGCAACTGCGTCTTTTGATCGGGTGGTCAAGCCTTATGGTGCACATTAC
ACACATTAACAAGATCATTGTCTCTCGTAACTGTTGTTGCTGCAATTAGCGTTGGTAGCA
CTTGATTTATGCAGGTGCCATGCAAAAGTGGCAGCAGCTTCCAAGTATAGACAGTGCCCT
GCTCACAATTAATCAGCAGTCGCAACCAGCGATCTCCGTATGACCGTATAAAAGCTGGCC
TAGGGCATTGCCAACCGAGTCAGTCCCGCCGTGGAAGCTGTGAGAACGGACTCGAAGGG
ATCGGAACTAGCTCTCCAAATGCGTGCCACAGTGGTGAAGTGGAGCGACGAGCACACAT
>EP78288 (+) Dm CG11107; range -499 to 100.
CGGGAAGATGCGCACCGCTACCTGAATGGGTATTTCCATGGTGGTTAGGCAACTAGTCCT
GGTCTCGCAGGAGCTCTTTTCATTTCGATATCCTGCTCTTTGTTTCGCATCTTTGCGCTTC
AAATACGTGCAAAAATTCAACTCCCTCCGAATCGATACAATGTGATAGTGTGGCCGACGC
TAAAGCGCCAACCCAAGCCGAAAATACCGAATCCATGTAAACAGTTTGTACTGTAAAAAT
CAAAATCAGTTTCCAATCAAATTGCTGTCAAATGTCAATTTAAGACTGTGAGCTCACAA
CTATTTCTTCAAACTGGTGAGTAAACCGAATCTATAGATAGATTCTCGTCAAAGACTT
AAGCTTGAAGTGTGTTTTTTTTTAAATGCCAAATTGCTGCCGTGCTGTTGGTTGTGATC
TTCGTAACCATGGGCTTATATAGTATACACAGACAGTAACTTTGGTATTTTAAAGTT
GCGATCAGCATGGTGGTATATGCTAAAGGTCTCACTGAGCGCGTGTGTTTTTTTGTGCT
AAACGCTTCGTTTTGAGAATTAAGTGCAGTAATCACCATAAATTAGCATGTCCAAGCGTC
>EP78289 (+) Dm MRPS9; range -499 to 100.
CCTTTGATTTGTGTTGTTTAAATTTCCATTTGAAAATATCAGCATTGAAAGAGTGTTTA
AAAAGTATAGTCAATAAAAGCATTTGTAAAGGTGGACAACGGTAAAGTAAATAAACAATT
TTTTATCAGAAATTAAGTATTGTTGGGATTAATTAGGAGGTGGATTCAAAAAATTTTTG
ATAATTAACAAAAAATATAAATAAATAAATAACAATTAATCAAAATTCATAGCGTC
TATTACCTGATTTATTAGGACAATTTTTTTAGAAATTTCTGTAAAGTATAAAGGAAT
TATTATTATAATACTTATCTCAAAAATGAAGTAATTTTACCCTCTTAAACATTGTAAG

AAAGTTGTGGTTTTATAGCTTAATAAATTAATAAATACAAATAAAAAAATTTTTAAATGGG
CGCCAAAAATCAGCTGAAAGCTTGTGTGTTTTCCAACACGACCATCCAACTTTAACCGA
CTGAAACATATGTTTATTCTCTTCTTCCGCAAAATTGAAAGGATGGCACTGCGTGTT
TTTGGCTTAAATATAGTAAAAATAACAGGAATCTGCTGCAAAATGCATGCAATCCAGG
>EP78290 (+) Dm DDB1; range -499 to 100.

TTTATTTTTAATTAGTATATTATATTTAATTATACGTATTCAATACAAGAAAATAAGTAA
ACAAGTAAATAAAGTGTAGGGGAATATCTGAACAATCTGTCATGTAATAACAATGATTGC
TTTAGAAATTTAAGTAAAGTGTGGGTAATAGTGGTATTAAGGCACCTATTACAAAAGCT
ATTTTCAAACAGTTTCAGTTTAACCGCAATTTGAAGGCGTCCCAGAGCTGCAAAGAAACG
AAATCGATTTTTCTTGCCAAAAGAGAGAGTTGGGGCAACACAACACATATCGATATTCGT
TTTTTCTGGCTTATGCGATGACTGTAAATGATCTTCTAGACTTTTATGGAAATCTTAAA
TGTGTCAATTTGCTTGTACAAGAATCAAAACAAGCTTATAAAATCCACGCGCTCTCTGCAA
CATAATTTATATTGAACATAAATGGAATACCTTCCAAAATAAAAAGTATATTTTCTGAG
CCGGACAGTATTAGTTCTTAACAGTTGAACGGTCACACTACGTGTCAGGAAACATTTTAG
CGCGTTAAAAGTCAGCGAAAACGATTTTTATCCTCGTGGCGGCTGACTAGTCCAAAGTTG
>EP78291 (+) Dm BCDNA GH12326; range -499 to 100.

TGAATGCACGCTCAGTACAGTGGGACCATAAGTAAATATTAGTTACTTGTGTTTTGTTTT
ATCCCGTAAGTCCCTTCGAATGCTGCTGTGTATTTTTAAATGTTGCAAAATAATTAAGA
CAATTTTGAAGACTTTTTCAAATGTCAAGATATAATCCCGTGATGGGCTAAAGCCGTG
ACACAAACCAACGGCTAGTGGTATTCTTATCGTTATCGCTGCAGTTATGTCTTGCAATA
TTAAGCTATATATAAGTGCCGTACTATGCCCAAAATTAGTCCGAGCTCAATTTGATAAT
TGATATTACAAATTTGAATTAGTTTGCATTTTCATCAGGGGTGCTCTCCCAAAATCAAGTT
TGGTATTTAAAGTGCCTTGGTGTGTGGCCACACCGCCGATAGGCACGCACAATCGAAG
AACGATTGCCACCGATTGGTTGCGACGACGAATCCGCACGAATCCATGAGCCCTCGCACC
GCCGAGTCTTCCAGTCTCTCCGATCGCCAGTCTGTCGAATCGCCATGTCCAGACGCAG
TGCCGCCTGTAAACAACCGCCGAGTGAAGTCCGCAGCCCGCAGTCATCGGTAGCAGCAGC
>EP78292 (+) Dm SCYLLA; range -499 to 100.

GAAATTCGAAGATACATTCGTATCTTGTAGCTGGTATCTCTCGTATCGTTTTCGTATCTT
TTTTTGCGGCTGGCAACAGCCGCTATTTGCGAGCATGTTGCAACTTGCAACTGAGTTTTT
GTTTTCGGAGTGGAAAATTTTTTTTTAGCCTGCCAGTAATGCCGGGTGGATTTTTGTT
CTTGCTCTTTTTCAATTCACCTTCGTTCCATTGCATTTGTAGTTGTTGTTGTTGTTGTTG
CTTTATTCTGTTTCTTTCGCGGAGAACATTTCCAATTTTCATCCTTTTCGTGGTTTTCTCT
CAAATTCGGGGTTTTCTTTCTTTTCGCGTCACGTACGCCGTTTGTATATCCCTCT
CTCTCGCCTCTTTCGCTCTTTCGCTCTCTGCTCTTTTCGCCGCATGAGCGCGCATGAG
CGAGACGGCGGACGCAGAGATGAGTGAACAGCTGTAGCGTCGATGAGTATAAAAGGCGG
GCGCACCGGCGAGAAAATTCATAGTAGCTTCGAAAAAAACACTGAACACAGTACACAAGAA
AACAGACTCTCGCAGCCAGAAAATCAAATGAAGCAGCAGCAGCAAAAACGTGCATAGCCA
>EP78293 (+) Dm CG6022; range -499 to 100.

TTTTAATGCTCTATCCGGTGGTATTTACTCACTTTTCAATCTAAATATCGGAAGTCTACC
CAAAAACAAATTTGGGCTATGGTTGGTGTGGAAAACCTCCCGAATAGGGCTGTCAAGG
TATCCGTTCAAATATCAAAAATGTAATCAAAATGTTTGTCTATGCTTTAACTGCGACT
TTTCTCAGAATCAGAAAGAATTTTCATATGAAATGAAATTAACCCAGTATTTTAAAACT
TTATATAACACTTACAAAATAACATTTTAAATGTATAAATGTATTTGTTTTACTTTTTAAA
AATATCGAAAGCGACTGTCTAACACTACACAGCACAGCTGGGGTGTTTAACTACAAGTT
AATTTACTTGAAATAAATTCACAATGCTTTTCATTTGTAGACAGACACACACATAAAC
TCACATTGCCGTGCGGTGCGAGTTGATTTTTTAAATTTTAACTTAACATATTGTCACGG
TGCAGAAACAACTGGTCCACTTTCGTTGGTCTGGCAGCCCTGACCACAACCTCGCTGCA
TTTTGGGCTCAAAAGTTCTAACGATGAACAAACGAAAAATATAAATCAAAATTTAAGGCGA
>EP78294 (+) Dm TPN; range -499 to 100.

CATAAATTTGCTGTAAATTTCTGGAGGATGTGTCGCTCGATGGGAACCAATTTGCTGCCA
TTTTTAATTATGACCAATGCATGCCGATGGAAATTACGGGCAACGAATGCACGCGCCCG
AAATGAGTTCAAATGACAGCAGGACAGCAAGTCCGAAAAAATGCGGCTAACATGCAAT
GAGCAGTACTTTGAAGAGCACAATCTACACACACTCGCACACACACACACACATAC
CATCGATTGGAAATGTGTGAAAAATAATGAAGCATTGGAATTTTCTTTTCTCAACCGA
TGATGATCTAAAATTATAACGCACGATTATACGCGGGAGACGGGCAAAGTCGGCGTTTC
GAATATATAGAACGCCACGCTGCAAAATTTTACACACTCGACTCCGAATTCGGATATA
TTTTTGAAAAATCTTGAACGAATTCGTCGGAGAACGCTCTCTCGCGCTTTAAAAGCCGC
ATACGCCCCGTTGGCTGGCATCAGTGTTAGCTTGTGAGAGCTTTAGTGAAGATCCCGCAG
GACCCGAAACCAAAAACCAAGATCAAACATGTCTCTTGAGCGTGCCGTTCTGTGCCAAGG
>EP78295 (+) Dm ACDM; range -499 to 100.

CGTAGATTGCTGGGCATTACGTTAAAGCTATGTTTTATTAAGCTTATTTCTAGGGTATT
TCGTGTGGTACATTGATATCTTAAAAAAGGGGGTGTGTCTTTCATACACATATGCCTAT
GTACTTGACAAAACCTGGATGAAATGTACAGTTGGTATTTTAAAAATATTTTACAATACA
ATTTATTTATATAAGCATTATATTACAATTAAGGCGAGGTACAAACAAATTTGTTAACTC
TTCGAAAAGCTTTGGGAAAGTTCCATCAACAGCGCATACAAATGTCTGCGAAATCTTCCC

TTATCTCAACCTCCTGCATATATTTGTAGGTGCATATGCTTGTAGTTCGTTTCGTACACCAC
GATTCTGTAGCTTTTGGCGACTGCCAGCGCAACAAGGTCCAATGTCCAAGCGTCGCTGCCA
TATCGCGATGAACCAATGTACATATGTATGTACATATATAACATCGCTATACCGGCGCAT
CGGCAACTCGTTTGGATCATTTCGCTGGCAGCCACCGACGAGTTAGCAAGGCGACCTAGT
TAAAACTCAGGAAAATACGAAAATAAACCCACATTCAAATGGCGTTTCTCAACAAGGTGA
>EP78296 (+) Dm CG2962; range -499 to 100.

TGACCAAAATCCAAAATCCAAATCGAAATCAAATCAAATGAAAACGAAAACCTAAACC
ATAAAACATAAGATGCCGAATAAAAAAAAAAATACGAAATATGAAAGCCCCATTCCGAGC
TTATCACTAACGTAGCGTCTCATTTTCATGCTAATTGTGGGATCCCCATTGGAATTTGG
GAAATGCAGCGTAAGACTTGATGAAACTGAACTGGTAGCTGGTAGCTGGTAGCTGGTAG
CTGGTAGCTGGTAGCTGGTAGCTCCGAATCCAACTGGCTATGGAAGAACCACACGACG
ATTGGCACTTTTGGGTGCGTCCAGCAGCATTGTTGGTGAATCGAAATGAAAACGAAAGCC
CATCATCATGATGCTGCTCATCATCGTGGCGATGATGATGATGGCGTTGATGGGCAGTTT
GGAAATGTTAATGAAACGCCTTTTGTTCCGCTTGTGCTGCTTATATCGTATAAAAGACTT
GGTCTCCAATCGATCGGACATCAGTCGCTTGTCTATCGGCACTCAAGGCGTTTTTTTTTT
TTTGAATTGGTATCATCGCATCAAGTGGATTAGTAGTCAGCATGAAGGTGAGCTGCTCA
>EP78297 (+) Dm CG14224; range -499 to 100.

AAATTACGAATAGGGCTATCAGGGCCTTGCAATGCCAATTGCTCGCTTCGAGCAACTGTG
GTACCGTGTACTGTTTTGTCTCTGGCTCTCTCGAAATGCAGAATCCTCAGTTGGCTAA
GGCGATCGCTCTCTCCCTGCCCCGCTCGCGATGCTGACGATATATGTTGTCGACGAGT
TGCTTGTCCGAGTGTGACCGCTTATCGAAAGTTATCGCAGTCCGATATGCGATATCACT
GGGGCTACCTGTGACGAACGGCCCCACTAAATGCGATAGGTGCCAAACATCGCATTTCA
GCCGAAATTCGAATTTAGGCCACCCGTTGCTTGTATCTCTAGAACGCCCTCTGCCGAAT
ACGTTTTCAAGCAGAGCAAACACTTGGCAGCGGTTTTGGACGCGTTCAAAGCGTTCAAT
TGGCCGCTATCGATTTCATCGATTGGTGGTTGATACGTCAGCCCTGGCGTGTGTAAGAGTC
AAAATCGAAATCCATCGTAGTGTGTGTGTGTCCGTGTGAGTGAGAAAGTGACGAATTAC
TTTTCATCAAATGGGAAATAATTTAGGGTGAAAACACGTATATATTCGGAACACATTTAA
>EP78298 (+) Dm RPT3_1; range -499 to 100.

AGGTACTCGAACTATCGATAGTTGCGTCTCGAGCAGCGATACTTTGGCATGGTTCTACGT
GAATTGCTTAGAATAAATTGCGATTTTATCAATTACTTATAAGCGATCTGCATTCGAAAT
AGTTTTTGTAGTAATAAATCTGTTATCAGCTTTTGTCCAATCAGAGCTGGTATATATC
GGGCAATTATCAGACAGCTGATTTTTTCCCATCACCAGATGCTTTGAAACGTATTAATA
ATACTTTCCGGATATTAAGTGAGAAACATGACATGTGATATTAGATTTATTTGTATACAA
CATTTTAGCTTTACAGACTAACTGGTATAGGATATTGTCCAATAAAGAGGAGTTGCTTTC
TTATCAGAAAGAGTATATATCGAAAAAAAACCGATTGAAAGAGCAGCACAATTTGATA
GATAAATGGCCCCATCGATAGATCACAATCGATTGCGGACAGGGTTGCCACCACAACGCA
CTGCTGGCTTGTTTTTGACGAGTCATTTTGGTCGCTCGCAGAAAACGCAAACTAATAAA
ACGAGACTCATTGCTGAACGAAAAGAATGCCGTACAACATGGACGTACTGATACCGGAAA
>EP78299 (+) Dm RPT3_2; range -499 to 100.

GGTTCTACGTGAATTGCTTAGAATAAATTGCGATTTTATCAATTACTTATAAGCGATCTG
CATTGCAAAATAGTTTTTGTAGTAATAAATCTGTTATCAGCTTTTGTCCAATCAGAGCT
GGTATATATCGGGCAATTATCAGACAGCTGATTTTTTCCCATCACCAGATGCTTTGAAAC
GTATTAATAAAATACTTTCCGGATATTAAGTGAGAAACATGACATGTGATATTAGATTTAT
TTGTATACAACATTTTAGCTTTACAGACTAACTGGTATAGGATATTGTCCAATAAAGAGG
AGTTGCTTTCTTATCAGAAAGAGTATATATCGAAAAAAAACCGATTGAAAGAGCAGCA
CAATTTGATAGATAAATGGCCCCATCGATAGATCACAATCGATTGCGGACAGGGTTGCCA
CCACAACGCACTGCTGGCTTGTTTTTGACGAGTCATTTTGGTCGCTCGCAGAAAACGCA
AACTAATAAAACGAGACTCATTGCTGAACGAAAAGAATGCCGTACAACATGGACGTACTG
ATACCGGAAAAGGTGCGTAGTTGCCCTCTCTGCGCCGCTGGCATGCGTACTAATTACCTC
>EP78300 (+) Dm CG2765; range -499 to 100.

GGGATTGTGGAGTAAGTGAGTAGTGTCCTGCGACACGAGCGGTCTAACAGACGTGCGCT
TCCGGGTGGTTGCAAAGGTGGTTCTGGGAAGAGCATTGATTGCAATAATGGAAGTTCTC
TAATCTCAGTGCAATTTACATATGTACTCTCCAGCAATTGTTGAATGCACTTTAGTAGTA
ATAAGAGGAAAATTAATGGCACGCTCTATTTTTTGGCCAAGTTATGTTACAACAATCTA
TATTGATAATTTGGTGCAAACTAAAAAAAATAAAACAATGTTGAATATTTGCCACTT
ATCCTAATTTATTTTTAAATTTAAGCATTTTCGAATTAGCTAATTAATTAACGGCGTTGG
CCGGTGCTGCCACATTGAACATGACAGCTGATGTTTACATCGATTGCCCCGAGCTGAGTA
ATCGATAGTTCTATCGAGCCTCCGCGAGCCCTGACTCGGCCGCTACTATAAAAGCAACTG
GCAATGCTTCCCTCTCTGTAATTTTTTCAAATTCCTCTCGCTGACTGCTCGTGTGAAA
CAGAACTGAAATTAATTAACCTCGGTGCGTGTGCAGACTACTTAGAATTTCCCATATTT
>EP78301 (+) Dm SNAP; range -499 to 100.

TTCGTACACGATCCGATCACTTAATGCATTTTAAAGAGATCAAATTAATGTTTAAACTA
AGCAAACGTGTTTCGAAATGCCTATATTCACCGAGGTGACTGATAACAAAATTTTAAATGC
TGGATACATTATAAAAGTAATAGTGAATATTGTGCGTTTCGTAGTGCCTATAGCGCCAT
TTAAAATAATACATAAGTTACAATACTGCTGCAAAGTGTTTAAAGGTACAAGTATATTCA

ACTTTGGCCAGAAATATCTGTAGCTATAGGATACAATATGTAAATGCTTTTGAACATAAA
GCGAATATATATAAAATTTAATAAAATATCTGAAAAAAGATTGTTTGCAACGTTTAGGGC
AGCTGTTCTTAAATGCACCTGCCAGACTGTAGGTGACGCATTAGGCGGCTGAGAATTA
TTTTGAACGAACAAACGTTACAGCCCTGCATTTACAACACTGGCATGAGTTATTTGAG
AATGCTGTGAGATGGTAACACTGGCACCCTTCTGCGGTACACCAAGTCAGCATATTGA
TTTTATTTTCTCGAAAAAAGATCCCAATACGTACACACACTCGCTGAAAAGCCGAACAAG
>EP78302 (+) Dm BX42; range -499 to 100.

GCGGCTAGGGCGATGCGATAGTATCGATCGGGCAAGTGCATTATATCTATCTAATTAT
TAGGGGGATGTCTATAAATTATATTTTTAAGTATTGCACAGTTCTGTTAAGGTAATAAAA
ATAAATTATTCAAATTTTCTCTGATTGCCCTGATTTTTATAAACCATATTGTAGTATTT
TGATAAGAACATTGCAAAATATGGTCCAAATATGGAATGTCATACCTCGTTAAGCTCGTA
ATAAAATTTCAAATCAAACGTGTTCAAAAATGCAAATTCATTTTTTGACCATTTTTTG
CAAATTTTGATGATGTTTGATGACCATACCAATCCACTACCGATTGCGGTTCAAATTTG
GAAAAAGCTATCGCTTTGTTATTTCTACCAATTTGGTTTTCTTACGTCCTAAGAAAAACG
CAATATATGCAATCCATCCCTAAAAGGGACCATACTCTATAGCATTTTCTATTAGCAGT
CTGGCAACCCCTACACACCCGTACGCTTGTGTGTGTCGCGTGTGCGTGCCTGTTTTTTTT
CGACTTTTCCATTATAGTTTTGTGGCTTGCATATTGAAAAGTGATTTACATAAGAATT
>EP78303 (+) Dm SHANTI; range -499 to 100.

CTCGGTTTGCGGCTTGGCAGATGGCCGAGGCTCCTCCGATATCTCGGTGTTCTCTGCCG
ACGCAGCAGATAAAGCAGCAGCCGACATATTTGGGTTTTGTGTGGGAGCCGTGCTCACAT
GTACTGACTTCGGGGAGGTTGAGAGTCAGTTCTCTTAAGAACTTAATCAATTCAAAGC
ATTTACATATATCAGCATAAAATAAACTTAAAAATCCATTTCACTTATTTTTGTTTCGCA
AAAATGCCAAACATATGATTAATAAATTGAGGAGAACTGGTGAACAATTAGCTCGATAAG
CTAGCAGTTTTTCAAACTAAGTTGCGGATTCATAATTTCAAATCAGATTTATCAGTT
TTGAATCTCAACCGTTTTGGTATATTTTTCGGGAGTTTGGTGGCGGTGCGACCCACCAC
AGAGGGTGGTATATTTTTGGTATACTGCGGTGCGTCCGATAGGCCAGACGATGACCAGC
GGTACCGATAACACAGATTGTTGACGTGTGCTGCTGCGTGTCAATTCGTTTTACCCCC
GCAAGCCGGCGATTTTCAGGAACGGATTGGATTGGACAGCACAGCATGGCGGAGGAAGTC
>EP78304 (+) Dm NSMA; range -499 to 100.

TTTTTTATGTTTATAACGATGATGGATCAATCATGGGGCCACGGAACAGGCAAACTAAC
CAATAAACGAAGATGAAGAGCGCCAGGCAGAATAGAAGTAGCTGTAGCATCATGTTGTTG
CCTAAATACCATAGTGTCCCAACATTTATGTTGTGCTATTTATGTTTTGAAATTTTTGA
CTAAATCTGAACAATTTACTAGTTGCGGCAATAGAGTGACCAATGCATACTATTCAAAA
ATACCACAATAAGCTATCAGTTTTTCAAATACTTAGCCCTTGCAAGACAAGCTTGTTGCG
AAAATGCATAACTTAAACAATTACCGCAATTACCAAAATTTTAGTTACAGTGATAAAAA
GAAAATGCATTCTCAATTAGAAATTAATAATGCAAAGAAATGCATCCCTGTTTATGTGCG
ACTTTGACTTGTGCGATCAACAAAGCTCGTCAGGGGTTTCAAGCTTTATTAATTTTCGGCT
TTCCCCAGACGGTCACACTGTGGCTTTATATCTTTTAAAAATAACAAAATCAAAAAGTTA
TCTTATCGCTGCTCCCGCGCCGTTATTCCATTGTAAGCATGCGAACGTGAAAATTGGCC
>EP78305 (+) Dm CG6398; range -499 to 100.

TGCAAATCTCAACTGGGCATATGTGTTTACGGGATATCATGATTTGCCTTGCTATCATC
GCGTTTTGTTATCTGGATTATCCAGTGTTGGGTTTTGTAGATGCGTTAACATAAAGTCAC
AATTAACACAAATCTTACGTTATCGAATATGAAAATCTGAAACTTCGTACATAAATGTAT
AATGAGCTTATGAAAGATCATATCAAGTTCGCCTCAAATTGGCAGAGATATAAGCATTCT
GTGAGGGTATTCATGGTTCGTTTGGCGAAACAGTCTCTCCTTTCTGTTTTGCTTTAT
CCAGCAGGTAGAAGAGGCACCGTCTCCTTGCTCCTGCTCCTAACTCTCCTCCCCCTCA
GTCCGTTGCAATGCAAAGCGCTCAAATGAAACGCCGACTGAGACGCCGACTGCGACTTG
AGACTATGGGTATGGGTATGGGTATGGTATATGGGTATTTGGTATTACCTGAAGTCTGGC
TCAGTCGCCGACGATTTTCACTCCGCTGGCGAACGTTGTTGCGATCACACGCTTTGGCT
ATCAGTTCTCCGTCTCTTTGCTGCCAGATTGAGATTCTCAGTTCTCCGTTCTCAATTCT
>EP78306 (+) Dm CG5765; range -499 to 100.

AACGAATAAAACCCAAATAAATATAAATCTACTTTATTTATTCGAAAAATAAAACAAT
AAGTGTTTTTCCATTGGGTAAATAAAAAATTTAACTTCATAACTGAAAAGATGAGCAGTG
TGATTTATTGTGAAACCTCTAAAGATATCCGCTGTTATCAAGTTATCAGGGTATAGTCC
CCGTTTCAAGCGCCAAAGTACAGTGTTACCCGCCACTTGACTAACCAACGTTAGCAAATC
AATTAGAGGCGGTGAGCCGATAAGCTACCAACTATACTATACCATTACCAGATAACAGGG
CTATTTATGGATGTTTGGGTACAGAAAACTTATTAATAAATCAAATCGGAAGGAATCAT
GGCCGATTTTAAAGAACACGATAGCAACTTAATTAGCTTTAATCAGCATGATTTAAAGAT
TTCTCGATGACAGTTCCAACCTACCGAAAATTATGATAGAAGAGAGCTATAAAAAATATGAA
CCAAAGGCCGGTAGCATTGAGTACGATTTCGAGATCCGTTAAGTCGGTCAGTTAAGTGGG
AATACTAAAAATGAAGTTCGCTGTTGTCCTGTGCTGCTATTGGCCACCAGTGGCTTTGC
>EP78307 (+) Dm CG9394_1; range -499 to 100.

CGCAGCGGATGAATTACACGGACGTTGACAACTTTACCATGTGAATTGCTCGACTGGG
GGTCAGCCACCACATAAGGGGAGATCTGTGGCTTAGTTTATGGTTTGTGGTCTCCATATG
TAGCTATTCCATGCCATGCCACCCCATCCGAAAACCAATTCCAATCCACCCACTGAAG

GTGAAGCTTTTGC GCAACACTCGAAATCAAATTCATTTAAACTGGCACCGCTGATGATGA
TGACGTGGACGCCACCCCAAAGCTTTTCGCATCTAAGTCCGTAGCTGTATCTGTGAATGAA
TCCGTAGCTGTAGCTGTATCTGTATCTGTATATGTATCTGTATCGGTAAGTGACAGAGTT
TTAGGCACACGTGCATGAACAGAACGGGTTTGACCGCCGGCCCGACGAGACGGATTTCCC
TATCGCGCCGTGACTTCGATATCACGGAACCTTATCAACTCGGGTACTCGAAGATGTGGC
CACTGCCATAAATCTCGTCACAGTGATTCCAGTGCCAGGAGAGGTGGTGGTCAGACGCCT
TAGCACCAAAAAAACAGAACACAGTTCCAATTCGTGCGCCGTGAGGGCAGACATGTCG
>EP78308 (+) Dm CG9394_2; range -499 to 100.

TCAGCCACCACATAAGGGGAGATCTGTGGCTTAGTTTATGGTTTGTGGTCTCCATATGTA
GCTATTCCATGCCATGCCACCCCATCCGAAAACCAATTCCAATCCCACCCACTGAAGGT
GAAGCTTTTGC GCAACACTCGAAATCAAATTCATTTAAACTGGCACCGCTGATGATGATG
ACGTGGACGCCACCCCAAAGCTTTTCGCATCTAAGTCCGTAGCTGTATCTGTGAATGAATC
CGTAGCTGTAGCTGTATCTGTATCTGTATATGTATCTGTATCGGTAAGTGACAGAGTTT
AGGCACACGTGCATGAACAGAACGGGTTTGACCGCCGGCCCGACGAGACGGATTTCCCTA
TCGCGCCGTGACTTCGATATCACGGAACCTTATCAACTCGGGTACTCGAAGATGTGGCCA
CTGCCATAAATCTCGTCACAGTGATTCCAGTGCCAGGAGAGGTGGTGGTCAGACGCCTTA
GCACCAAAAAAACAGAACACAGTTCCAATTCGTGCGCCGTGAGGGCAGACATGTCGGT
GTCCTGGTGAAGACTTTTCGCGGCATTACCGTTCGCTGAGTGCCTGTGCCTGCT
>EP78309 (+) Dm CG2330; range -499 to 100.

GAGCGCAATGCGGGAGGAAAAATGAGCGAGAGTGGAAGCGGTGTGAAAAGCCGAGAACA
AAGAGCAATGCATTGGTCATTGCTTTGATTTCAGTGATTTTCAAATTCATAGGCTGAA
GTCATAAAAAAGCTTTTGCTAAGAATTGAATACCTTCTTAAGCAATATGAATTCATTTT
AATTGATCACTACTATCGATAAAAAATCTAAATCTAATTAACCAATCACCACACTT
GACCATGAAAAATGTAATAAATTTAACCAATACAAACATCATTATCTAATGGACAGTCA
AACCATTTTATATAAACAATCTTCAATTAGGTCAAGACTTGTAGACATTCCCAATCC
ATGATCCCTGCCTGAGTAGTAGGGTGTAGAAATCCGTGTATAAATAAATTGTGTGTAGGTT
TTCCCGTTTGAACGGCAACAGCTGCATAGCTTTTGGAAAATTGGGAAAGCCACTCGCGAG
TTTTCCGCTGGCGACGATCAGTGTGCGAGAGTGCGTCGACGAGCGAGGACACAGAACCAG
AAGCCAAGAAAAATCAGCGGAAACGTATCCGGCGGGAGAAGAACAACGGGAAAGCTGCA
>EP78310 (+) Dm RPII140; range -499 to 100.

GTTTTCTACTCGATTGTAACATTTGCTTGAGGCGCTCCAGTCTCTGTTTCTCTGGTGG
TTTACTGGCCAGAAAGGCTTGTATGTTTTGTTTTCTTATCGACTATTTTCATCTGCGGC
GCCTTCGAATGTTGGCAGGATGCCTGCGATCAGAAACCGCGCTCTTTCCACAGAAAAAT
CATTTTTTAAGCGTGTAAATTAACCAAGTAAACGAGTACAACAATCTCAGCTGTTTGGC
GGTCTGTTAGTGTGGAAAGTGTGCGTGTATTGGTGTGGCAAACCTCTCGGTTTAATTG
TTTTTAATTTAAATGCGTTTGTATTATAAAATTATATTATTATAATAATTTAAGTTAC
ATACTCATTTAGTTGTTTCATATATTTTTTCTTATATCATTACACTTTTAAATTTATTT
TGTTGCCAAAAACAATTTTATTGTGTTTACAAGTATTTGCTATAACTTTATGAAGTGCAC
CTTGTCCTTTGCTTTTGCCGTTTACCAACACAGCACACGCGCTAATCGCGTTGTCGGC
AAACATTTGTTGTGAAATTTTCTACGTTTTTACAATTTAATTCATTGCAAAATCCAATTTA
>EP78311 (+) Dm GC; range -499 to 100.

ACAAATCTTTAGAAATATGCGATTTATAATTATACAGCATAAAAGCGATGCCAAACTACAG
TAAAAATGTTATGCTAACATATCATATCCAAGATTATATTATGTTTCATCAATCTGGCCA
GTTAAATATACAAATGTATAAAATGTGAAAAAACATATAACCTTAAATCACTGGTGTA
ACGGTGTTCATCCTTCTACTGCACACACTGCACCTACCCCTATTTCCAACACTGTCGT
GCAGAGGAGCCCAATCGAGTGGCACTGGGGGTGAGTGTGGCGAGAACAAAATGGTTG
CCAGTCGGGTGCGCGGCTGGTCAATCATATGGCGAGAATAGTGGTTAAAGCCACCCCTGG
CGTGGCAGCTTTATCGGGGTTGCATGTGGTGTGGGATTGCACGGTGTGCCGAGTGTAT
CCGATTCCGACTTCTATTCCGAATCCGAATCGGCGGACCTGGTCTCGAATTCGAAACGC
AATCGGTGGCTGCGCACAGTCAAGTCTGCAAACTTCGGAGCGTGCGGTTGTCAAGTTTCG
GTCGTCTGCGTGTCTTCTCTTTCCGATTTTCAAGTCTTCTCCGACACACACACACAGC
>EP78312 (+) Dm VHAPPA1-1; range -499 to 100.

TAACATTGAATTAATAAATATGCATTTAAAGAACTTTGAATAGGTACGCAGATATGAA
AAGTAAGTCCAAATTTTAAATTCAAAATTGCACTAAGGTGCTAAATTATATCGATTTCT
GATACTAAGTCGATATCGTTTTTAGTATTGGTGTGAGGCCATGCTTTTAGTTCAGTGCTA
CGGTGAGTGCCAATGCTAAAAAGCTAGTACGAAGTTTTAGTTTTGGAAGTCAAAATGA
ATAGATACATAAGAAACACAAATATACAACAAATATGTTTTAATGTTTCATATATCGCAAT
AATGGGAACAGCTATTTTTTTATTTCCCTTGGCAGTGCTAACTAAGCAACTGTCTAGCC
ATTTTCCCATTTGTAATCAGAAGCACAAGTTCTGGCTACAAAATAGCCAGCGAACCACCA
CTGCGCACGGTTGTGTTATCGCACTTATCGAGTGGCGTGATTATTCGATAGCGACTGATA
GAGAAAAATGTACGTGATGTGATTGTGGATTCTTTTTTCGACGAGAGTCACTGTTCGG
CCAAGAAAATACAATTACGCTGCAATTCGGTGAGTGTGAGCTGGAATTTGGAATCC
>EP78313 (+) Dm BCDNA LD21129; range -499 to 100.

ACTGCGCGAAATACACTAACGCTGCTGTTTCAGTGTTACCAGACGGTCTGCCTTTCGGC
CGGCCTATAAATACCAAGCTAATACCAATGTTTTTAAAGTTGTACTTACAATCCCTCT

CAATAACAGTTGTTATTGGGACATTTCAATAACAGATTGCGTAATACCAAAAATACCTTA
TACCTACAAAACCTCCATTTTGTCTCAATTTATTCCCAATATATCGATATTCCATAAAA
ATTTTGAAATTCGCGTTCGGGGAATCGACTATTTTCTTTGTTTTTATAACAACTTTTA
GGTATTGAGAAATAATTTCTTAGTCTGCTATCTATATAAATTTTTCAATTTAATGATTTT
AATTATCAAATATTCCTTTTAAATTATATACCATCTGTAGACATTATTATAGTTATTCTA
ACATATAACAGTTGTACTATTAAATATACCAAAAAGAATACCACCGATTGCAAACATTTT
ATGGCGCCGAAATAATCCGGACTGCGACCAGGTGGCAGCACTAGCAGCTTGGTGTGCGCT
TCGTTGGAAATATCATTTTATTGGCACCGGCTTTTCCATCCAATATCACGACATGGATC
>EP78314 (+) Dm BUR; range -499 to 100.

AATGGGTGCGGTGGGTTTTGCTTTTTCTGACTCTGCAGATTTTGTATTTTCGTTTTCTGC
TGCACCCAGTAGTTTTTCCAGAGCCAGTATTTCTCCTCATCATCGATACTAATATCTGT
TCCGGATTTCTGAGCAGGACCCATTTTCAATTTGGGTAGATTTGTATTTTCACGTGTTCTCG
TGTTTTTCTTGGTTTTCTAAATAAGCGCAATAACATATCTGTTTTGGCGGGCTCAGTGT
GACCGGTAATGTATATGGTTCTACAAAAGTGCTCGTTTGTCAACACTGTACAAACAGA
TTATAATTTAATTATAATTCATTATTTAAAGAATACTTAAGCACTCCTAATAAAGAAG
TAATGTAATGTTATTAAGGAATTTTCATTGTTTTCGAAATAAATATAAATTTATTTATTT
GGTAAATATTAATACCAAAAACGTTACAGCTGGTATTTTTCGTTTGCAGCAGCTGGA
TTTTTCCAAATCCGAAATATGGTTCATCCGCTCGTCAATAAGTCATCTTTCGGCTTTAAT
TCGCGAAAAAAGTGCAGGAAATCCAAAAGGAAAGTCCCTGGAAGCGGCCATAATAACGCA
>EP78315 (+) Dm DNAJ-1; range -499 to 100.

TATTTCAAAGAAATATTTTGTATTTTCTGTGTGTTTTAAGCAATCTGACCCCTGTA
GAAGAATCCCTTATAATATTAACAAATGTATCCTCAAAATAGATCGATCTCTATCTTCGC
AGACTTACACGAAACATTCCAGAACCGATAGTTTTATGCGATATATGAGATTTAAGGAGT
ACTTTCCGCATTTCCGCATCACAGTCACGCTTTTCTTGGCATTTGCAATCAAATAAGCGC
TAATAATAATCGTAAAAGCATAAGAAGCATATAAAGAAGAGTCACCGCCAAAAGCATGCA
CAAATATATATAAATGGGGAGCGATTTAAAAACAGTGCAGTGTGTTTAAACATCGACAG
CTATCGGTTAGCATATCGATATTGACATTCGCAGTCAAACGTTTTTCGAGATACAACCCTA
AAATCCGAGAAGCATCCAGAAATTTCGACGTAGACGAGGGCGAACCTATAAAATGAGGTT
GACGCACGAATCCCGCTCATTATTAACAAAATTTTGAAGAGAAAGAACTCTGAAGTAG
GGTGTGTTTTAGTGCGCAAGCCACATTTGGTGGATAAAGAAAAAAGCGAAGAAGACAA
>EP78316 (+) Dm HEXO2; range -499 to 100.

TGTTTTGCACGCTGGCAGTTTTCAAGCCACGATTATTGTTGTTGCTGCGTTCTTGAC
CGCATATACATACATACATACATATGTATGTATATATTTTCCATTTTATCACTCAC
CCCACAACCTCCGTATGTGGGCACTCTCCAGGGGGTGGGTTTTGCTTCAAAGAGTGGGA
GATATGCTGATTTACAGCACTACACAGGCAGAAAAGACGTGGCATTCTATGCATCAAGT
GTCCTGTTAGTATAGGGAAGCTCATTTAATAAAGCTGTAAAATCTAATTGCCAAGCATT
ATGTGGAGTAGCAGTGTAATGCAAGGACTTGGCGTTTCTCGCAGTGTAATTTCAATCCGC
GCTCTCTCGCGCTCTTGCACTCTTCAATTCAATTGACGATAAGCTCGACTTGTTATTG
CTGTTGTTGCGGCCGCTACTGCGCTGCAAGTGAAATTTGCTGGATTTATTTTATTCGCT
TTTTCGATTTTACGCTCTTTCAGTGTTGTTGTGCTCGGCGAGCGGAGCGGGTGGCGGCCGG
TTGAAAATAGCGAATACACCGTACACACCCCTTAACACAACAAATATAGCAATACCGA
>EP78317 (+) Dm AATS-ASN_1; range -499 to 100.

ATTAGTTTTGCAAGTACTTATGCTGCAATCACCTGTTTTCCGAGGGCATTTTCTGTTTT
TTAAATGTTTACGTTTTCTCACGAAGGTGAGAAGGAATTTATATTTATCGATAATAAAT
GAGGGCTTGCAATGAGGCGATATATTATAGCCAGATTTAGTTACTTTAAATATCGGAA
AGGTAAAAATAATGATTAAAGACCTTGCATAAAAAAACCAGATATAACAATAATGACGT
CGAACTTTATTGCTCAAAAACCAAAATAATGTTGAATACTCATTTATAACAATACATAC
TGATTTCCCGTTTATAGGGATAGTTGTTTTTATAAAACCTTTTATGCAGAGAAATATTTT
TTAAGAAATAAACCAATTTATTATAATGTAAATAGAAGATTTCCCGTCCAAAATCAAAT
TATTGCATTTTTAAACTTTTGACCCCTTACCAATCGCGTTTTTCCAGCACTTGCTT
TGCATCGTGTCTATCGAGTATCCGGCGAGAGGTATCGTTTTGCCAAAGTTGTCAACTTGA
AGCTGATGCAATTTTGTGCGTATATTAGCGATATTTAAGTTCAGTTCTTAGTAAACTCTT
>EP78318 (+) Dm AATS-ASN_2; range -499 to 100.

AAGGTGAGAAGGAATTTATATTTATCGATAATAAATGAGGGCTTGCAATGAGGCGATAT
ATTATAGCCAGATTTAGTTACTTTAAATATCGGAAAGGTAAAAATAATGATTAAAGACC
TTTGCATAAAAAAACCAGATATAACAATAATGACGTGCAACTTTATTGCTCAAAAACCAA
AATAATGTTGAATACTCATTTATAACAATACATACTGATTTCCCGTTTATAGGGATAGTT
GTTTTTATAAAACCTTTTATGCAGAGAAATATTTTTTAAAGAAATAAACACAATTATTTA
TAATGTAATAGAAGATTTCCCGTCCAAAATCAAATTATTGCATTTTTAACTTTACGCC
CCCCACTTGACAATCGGCGTTTTCCAGCACTTGCTTTGCATCGTGTCTATCGAGTATCCG
GCGAGAGGTATCGTTTTGCCAAAGTTGTCAACTTGAAGCTGATGCAATTTTGTGCGTATA
TTAGCGATATTTAAGTTCAAGTTCTTAGTAACTCTTAGTCACAAAGCAAGCAAGATGCCC
GCCGATCAGTTGGCTGAGTTAACCTTGGGTAAGCACGTTTTTAAAGTATAGAAGTGGGCC
>EP78319 (+) Dm CG12091; range -499 to 100.

GCCCCAAAAGTGGGTAACTGAGTGGCTGCGTGTGTTGTTGGACCTACCAACAACAAGACC

AGCTGGGCAAACAAATATCGCGGAGTAGAGCAGACCTGAGTTTTTTTTTGGCAAAAACAA
ACTACTTTGGTGCAGATATGACCAGGCTGTGTAAGTAGGAGTAAACCAAAAGAAAATGA
CCGTTATAATAATTCAACTAAAAGCATAAGGGGGTTTCTTTAAATACCAGCAGAAAAAT
ACTTGCGAAAAACAATTGCATCGAAAAATATGTTTGTGTTTTTAAACTTGAGCAATAAGT
AAAGCTGCATATTTTACCACCTTTTGTATATATACCGTTGGTGTATATAAACGAGTT
GTACTGGTTCGAAAAATAACTACTACAATAGGGTGTATATGGTTTCGGAACCCGTTCA
GGAGCGGAGAGTTGGGGTGGGAACAGCACCAGTCTGAACCGATCGCGACCT
GACGAGAAAAAGTGATCACTTCATCACATAACATTTTCGATTTAATTGGAACGTAAATT
GTGTGCCCCGTCGAGACAGGAGTTTTGCACCGAAAAAACGAGTGGGAGGAGTGGCGTG
>EP78320 (+) Dm BCDNA GM01838; range -499 to 100.

AACAACATGTTTTAGTAAACACCGGCTAGAAAGTGTAAACAACAATAGAATTTCAGTGGG
TTTTTGTGTTTTGTAAAGGATATTTGCCAATGGTGAATCCACAGTGAAGTGTGCTTTT
TCGAAACGCTGAGTTTCTTTGAAGGCGTTTTATATCCCATTTATTCATGTTGATTTTCA
ATATTCCTTAGGTTTTTTCAGCGGCTTCTGTCAATCATAGGAATTAACCTAGAGATGAGCGC
AACGGCGATTATTTTGAACAAGACACAGAACAAATGGAATGGAGAGTTTGCTTATTTTTT
TATGCTATGCAAATAAATGGAACAAAAAGTTATTCAAAAAATTGTTAGATGTATTTTA
AATTTATTTGGAATAACAACGAAAAACGAGGCAAGTACAAATTTAAAGCATTCAAAGTTAC
GTTGCCCTGGTCTTGTTATCGATTGCATATCGATAGCGTATCTAAAACCGAGTTGGCAG
TCTACCCGGCAATTTTTTAGACTACGTGTCTAAGCGAAGAATGTGTCTTGCATTTTCAG
ATCGGTTATAATTTTCGAGTTACTGGCTGGAATTGGGACATGAATCGGACGCCGAAGATG
>EP78321 (+) Dm CG14939; range -499 to 100.

GCGATGGTCTAAAAATTGCAAAACAAGTATTTGAGATAAAGGGTATATGGCTGAGATGTA
TGCTTATTACGAAATACTTTCAAGTAAATTATAAACAACCATATGACTTTTAAATACT
AATAAAAAATTCTTATTAACCTAACTGGGGACGGTTTTTTTTTAAAGGAGTTTACATATT
TTGTTTAATTAAGGCCCGCCCTTTTTTGAATTTAGTGCTGCCACATAGTCATGTGTGA
TATCGATAAGTGGCGTTTCAGTACTTTACTTATCGACTTTCTTACATTGCCCTTTTATAT
ATCCTTTTGTGTTATTATTGTAATTGTGAATGATCATATATTTCAAGGGACTAATTTATT
ACTTATTAATAATATTTAAGATTTTACGCAATGTTTTTAAACTAGGCACTAGAGCATT
ATCTGGTATTTTATACCGCAAAATGCCATCTCTTAGCCGGATGGTGTGTTTGTGCTAAC
CATCAACGGGCACACCGCCACTGATATCTATCGATATTTATAAAATACGATACATTTTCA
TTTCGAGCAGGTAATTAACAAAAAACGCGAGAAAAACCAAAGATGTGTGAAAAGTGT
>EP78322 (+) Dm SAC1; range -499 to 100.

TGGGCCACGTTCTCTCGAATATCGCCTTGATCTCTCCAGCACCTGGCGCACCCCATCG
TCGTGCAAGGCGGAATTGTCTGCGACGATCTCTCAGTTCTTTTAGCAGGTGCAAGGCT
TTCTCGCCGAACATTTTTGTTGTGCGCTCATTGTTGATCCTCTCTGTTTTCTTTGGTT
TGGGGATCTAGTGATGATTGCGCCAAAAATGTTGTCGACTTGTGGTATCGATACTTGG
TATTTCTTTTGGTATATTTCAAAAAATAACAAAAATTTTCATCCTCAGTAGCCATGTTCT
TTAAATAGATTTGAAACGGTGATTTATCAAAATTTAGCTTACGAGGCCCAAATTATGCC
GTCCTAAGAGGAAATGCCATCCTGGTTAGATTGGTGCAACTGCGGGAGTGGAGTACCACA
TGCAAGTAAGTGGGTGTGAACATCTTAAAGTATCGAATATATTAGCTATTCGCTATTCGG
CTATTTAGCCAACTGGTCCATCCCTATCACACACGTAGTGGCAAAGAGTTGGCCAAAAA
TCAGATGAACGCAATTTGTGTGTTAAATCAATAAAGAACGAGTAACCTCCTGATTGTGT
>EP78323 (+) Dm CG7014; range -499 to 100.

TGCATAATGGGAAAGCAGCAATACTAGCAGCTTATGTTAAGTCAGCAGTAAAAAGAACCC
GAGCTTTTGTGTCATTTGTTTATCCAAGCATATATGTATGGTGTGTCATTTAAATTAT
GGGCACTTTTGGTTCATTCGCGTTTTTTCAGCGACTTCTGAAAAGGCAGTCTTACGGAAC
ATTTACCAAAGTTATAAATAAACAATAATGTTCTTAATCTAAGAATAAAGTTTTTAAAG
TATATCGGTGGAGTGGACAATAAGAAAAAGTAAATGTCAATAAAATTAATGTTAATAAAA
GAATTAGATCATTTGGTACCTGCCATAACGAATCCAGTTTGATAACAATGTGTAATCTAA
TAAACACAAAGGCAATCCTGAAATTTGAACCCCGCCAAAAAAGGCCCAAAGTTGGC
AGCCCTCGGCGCAGTGTTGCAGTCGCGGCCATTTTGAAGTGACAGCTCCTTTTACCG
TTTCTTTTTCATCCTCTTTCTTCCGCGCCGAACGTTTCGCGAAGTCGCACGCTTTTGA
GATCTAGCTCGAATTAATTTCCCGAAATGTCCGAGGAAGTGGTGGAGTCCAGCAGCCAG
>EP78324 (+) Dm CG2145; range -499 to 100.

ATCATATGAATGTAAATTCATAAAATAAAGTAACAATGACATTGTTTTAGTTAGTAGTTA
GTTTTGTTAGTCAGTAACATGTGTGCATCTTTGGGTTTCGATATAGAGATAGAGATATGA
TTATATTTTACATTAAGCAAAGCCTTTTTGTAGTGCATATCTTTTCATTTCTTTTCCAA
GTTCTAATAGCTTTTAATGCTATTTTTATTGGTTATTTTATAATAACCCCAAATTTTTC
AAAATTAACATAGCCTATTGAAGTGGCTGTAGAGTACCTGTATAGAGGCAAAAACCCACG
CCGCCGACGATCGCGTCGTAAGCTCATTAATAAAACCACAAACAACAACAGCGGCTCATA
CGGCAGCAGCAGCAACAGCAGCAACAACAGCAGCTGCAGCAACAACAGCGGCAGCTA
CAACAGCAACACCGGCGACAGCAGCAACATCAGCTGCGATCGCGAAGATCAGGCGGATGG
CGAACTGGAGTCTCTGTCAGTCGCTTGCCGAGTCTTCGTTTCAGCTGGTCGAGCAGTCTT
CGAATTTTGA AAAAAGCCGAAATTGAAATAAAAAAATTTGTTACGCCAAGGCAAGTGC
>EP78325 (+) Dm CG7332; range -499 to 100.

TATACACCGCAAGGGAGGACATAAAATGAACACATTTTAAACAATGAAAACAAAACGAA
AAAAATTACAAAAAACACTCAAATAAAAAAGAAAAAACAGGACAAAAAGGAAAAAA
CATAAAAAAGGTTTGTCTCGTAACGAATTTAAATTCGGTTTAGATGGGCGACAAAC
TCTGTTTCAGGACTATTCCCTGATTGGCACAATATGTTATCGATTTTGCACACAATCTA
GTATATTTTGAATTTGCAAAGGGATTGCTTTGTTTAAATGTTACAACCAAGTTTGACTT
GTAATATTTGTAATAACTTCCATAAGTAATCGCTTGTGTTTGTCAAATAACACTTAGAAAA
AGAGAAGTTTAAAGGTAAGCTTAAATTAACAATCTCTAGACCTAGAAATTAGTAAG
CTTTGCTTGCTAGGGTTCGTATTTGCAGACCGCAATCGATTGTTTACGTATTTGCGCAC
ACTCTGGCCACATTGCCCCACTGTTGCACTAGTCAATCGATTGGCTGTGCCAAATAAC
GCCTCCTGCTATCGATATCAATCAAGAAAAATAAAATTTATTAAATAGATTTGTACATA
>EP78326 (+) Dm CG11208; range -499 to 100.

AGTTGAGTTCCTTTACTATTGCACATATCGCTTATACATAAACTATCAACTGCAGAAGGT
TCAGCAACCCAGAAAGGCATGGCAATAAAGCAAATACAAAAAAGAAATTATGGTATC
TTAGAAAAAATTTGCAACATAGGCGGGAAATTAGAAATTATCGATAAAGGGCTGTCGCA
TCGATAACGAGCTGGTATGTCAATGTTGGTATTCTTTCACAACTGATTTTACACACGTT
TGGTATATGGGGTTAGTAGAGATGAGAGTGTTCAAATATCAGCAATGTTAAAAAATCA
CTGGCATTCTTTCTGCGAAATGATTGAGCTTTGCACTTTACCTTTCAGAAATTTGCG
TCGCATAATTAAGTATGTTTCTTTCAATGACTATCGCATAAGTATACACTGACTGTG
CGCATCGATAGCCACAACAATCGCTGTGCGGGGGTAGGAAATCATCGATACCAATGCAT
CGATAGCGGTCAACGCTTCTGTTGGACTCTACATTTAATTTGTTTAAACAATTTCTTGGG
CCAGTACGCAAGAAACGCGCGCGCTAAATTACATTTTATAGTACAATTTCTACTGAAAA
>EP78327 (+) Dm CALPB; range -499 to 100.

TTTAACCTCTTCTTCTTCTATTGAAATGCCGACAGGGCTAAAAAATACCAAATTCATT
CGGATAAAGATGGCAACTCTGCGCGACAATGTAGCCCTGCTCGCTTTTAAACCCTCG
AAACGTGTTGGGTCTTCAATATTGACACTAATTTAATAGTTTACGTTCTGTAACAATATA
GACTACATAACTACTTCTCTAATACCATAAAAAATACATTTTATAGAAAATAAAATTTAT
TAAAGCTATATTTGTTTTATTGAACTGTTTAATAAAACAAAATTAATATTTCTATAA
TATATTTCTGAGTTAATAAATGAATTAGAATGTTATAAATATTTCTTCTGCAATTTCA
AAGCTTTTTTGATTGCACATGCATATTCAAAGAAAATTTATACAGAACGCGCAAGGGTTA
AAGATTATGAATCATTTACCGAGAAAGTTAAATTTGGTACTTCTCCCATTTAAAGCGTA
CGATTCTCAGCGAGTCAGCAGTTTACCACGGCAGCGAGTTAATAAACATCTGGATATCA
TCCAGTTCCTGATGTTTAGCCGATTTGCAACGCCATTAGTAGTTAGATTTAGGGAAAAAC
>EP78328 (+) Dm CG31211; range -499 to 100.

CACACTTTTGCGACTTCACTGTTAACTCTACTTCATAGAGACTTTTACCCGATAAATGT
TATGAGTTTGACTTTCTCTGTTAATCACAAGAAAAAATATTGTGGAATTTAAATTTATCT
CAAATCAATAAAAAATAATAATATATACACCTATGTTTTATAGAAGTCAACAGTAAATAA
GTTATTTGGAAAACCATTTGAGCCGTTTAAATAAATCTCCTTGAGTGTGTTTTAAATAAC
GGTCATTAAGTATATTACTTGGCCCTCTGAATTTCTGAAATTACACCATTTTATAGAAATA
AATCAATCCAAAAGACTACTTTTTGGTGGCAAATGAACTGCATAAAAAGTAACAAAAGAA
ATATGTTTTTGAATAACAGTATAGCTGAAGTGTATTAATAAATACCGTCATATGAGCGA
CCCCTGTTACCGCTTCGCTGCGAATGACAAAACGGGCTGAGCAAGAAAATGGCGTAGAA
GGCGACGAAAATTCGTTTCACTCGTGAAGAAAACCTCGATAACTGAGGAATACAGCTGGG
ATTTAAAGAGCATATTCGAACTACAAGCAGAGATGTTTCTGTTGGAACGGAACGCCG
>EP78329 (+) Dm CG8306; range -499 to 100.

ATATTTTATTATATGGAGGTTGGTATAACTTATAATAATATTGTTTTATAATTTTTAAG
TCCATCTTAAAAATCGATGCATTTTCTTTTCGACAATGCACAGTGGCGACACCTAGCTAC
ACTCTTTCTACACGGTGTACACTAAGTAAGTTCGGTAATATTCCGACAGGGGCGCTAGCT
GAAGAGAATTCTTATGCTCGAGAAGAGAAAAACATACATATGCAGCTAAAATAACAAAA
AAAGTATCTGCAAGATAGCAAAAATGTATCCGCAAACTCAGTGAGCTAACCATATTGTA
TGTGATGAGATCAGAAAGTAAACATATGTGGGGGACCAACCAATAGGCACTCCCCTTT
GAGACGCCACTGACTAACTGGTTTGGCCGACGATCGTGATCGTTATTATGACGATCCGCG
GAGCGTAGTTAATGATCATACACGAACAGTTTCGCTTGCTGCCGAGCACATTTCTGTTGCC
ATTGACGGCATAAAGATTCAAGTTGAAGTTTTACTGTTGCCGGCTAACGTTTCAAAAATCGG
AGGATCGGAGAAACGCAGATAAAGATAAACTCGCCATTAGCTGCCTCGCTCGCACTCG
>EP78330 (+) Dm CORT; range -499 to 100.

AGCTATTCATAAACTGGCTTGAGTATTTGCAGCGGGCGTAAAGAAACTGTGACGTAGTT
TAAGAATAATAACATTTGCAAACTTTCTCTTTGATGACTATGCAATAATTCACAAATAG
CTGAAGTGGGGAAGCCTAATAAAGCGGATATTGTTTCGCAACTAATTTGTACAAAATAA
CAAAATAACATTCATAATGATGAATGATCCTTAAATATTTGTATAGGTTTTTGGTTAAT
CCTGTCAATACAGGCATGGAATTTCTCTGAGTGCATGATGCACTGTATAGTCTAGTCGT
TTCCCTTCACTTCCCTCATCACTTAACCACACTCATCACTTTGCGATAATGACGTACGTA
TGCTTTGGGAGTCCCAACAAAAAACACACATGCGCTGCCCCGTGACGCGGCAGCACA
GCAGCAGAGGACGGCGTCAAGAGCGGCTTGAAGCTGGAGCTCGATTTTAAATGGCCAGC
CCGCTCGGCGCACCACTCACTCTCAGTTGGAACGGCGCGTGAACGGTTATCGCTCGCTC
ACCGGCGCTCTCTCGCCGCTCGCCCCACCAAGCCGCAATTAACAGTTGTTTTGCTGC

>EP78331 (+) Dm CG9318; range -499 to 100.

CAACCATTTGACAAAATATATTATTAGTCAGGAACGATAAGACAAAATCTTACTACTT
GTATTAACACGCGTTTGCCTCCCCAAAATCAATCGTTAAATTTGAATGATTGTGCTTAT
CGAAAAATTTTCATATTCAAAGATAAGCACGGAAGCAAAACCTCGAACGAACTAAATAATC
GAATACTTTGACTTAAGAGTCGTAGGTAAAAAACTAACAAATGAACAAAATTTGATTACT
ATATTAAGAAACAGTGGATAAAAAATAGTAATATCTTAGAAGTATCACACGTATACGTGTG
TATATTGGTTGCATTTCGCTTACTGAACAGGGGAATTAATTAATTTAAATATAAAAGTTTA
TTAAGTCTACCAAAATTTCTGTTTGCACGTAATAATAAAGAGCTAAAGGTTTTTCGCGGT
AATATTTAGCTTTGCAAATGCTGGTAGTTTTTTTTGTGAGCCAGTTGGCAGCCCTCTCAGC
TGTAAGTGGCAACGCTGCTACAGTGTGACGTTTCGGCAAAAAAGAGGAAACGTAGTA
AAAACACTCGAAAACTCCGTATATTCCGATAAAATATCCAGATAGTACGTTTGTGCGTG

>EP78332 (+) Dm CG5903; range -499 to 100.

GGGTGGGCGTGGGCGAGTGCCTTGGCTCCGCTTAACGCGCGCTTGCAAATGGTCGATGGC
GGATTATTTAAAGTAGTGATTTCATTGAAGATTGCTGGTCCGCTTATCAGTGGGCTTGA
GTTTGCATATTTTGTCTTACTGGTGAATAAAATTCGCGTCTTGTGGAAAGTGACCAGA
GTCACGAACGGGAAAACGGTAGAACGGTAACTAGTTCATTCTACGATGATTATGATG
CGATACATCGAACTGCTTTGTACATATCGCTTAAATCTGTCAATAGAAAATAAACGG
TGGATGGCATTAAAAAATCGGATTGAAGCAAAAAAATTAATGATTTTCATTCTGTTTAT
ATCATCAAATGCAGAAAATAGATGACCTTACAAATTAATCTAATAGCAATACCGATATAT
CGTGACCACCCTCACACGTGACAGCTGTGAACATCTGTTGCACGAATCACCCTGCTTT
CATTCTGTCGTCATGCGTCATTGAGTGAACCGTGTGTGACAAATTACGAATGTCTAAC
AACTGATGTAAACAAGCAATTTACCAACAGTTGGCCAAATTCGTTGTGTACACACT

>EP78333 (+) Dm CG8243; range -499 to 100.

GAGATCCAAATTACTCACCAGAGCTGTGGTGCCGCTTCTAGTTTCATGGTGTCTCCAC
TTGGCGAATGCAGATCATAATCTGGCTGAGGCAGAGGCACACCAGCTCCGAGCACTCCGA
CTGCCCCCTGGGAGCAGAAGGAGCTGTGGGCCAAAGTAGCGAATCCAATAGCACGGCGCA
CAGGTCCTGAAATTCAAAGCAACAAGTGATTGATGTCCTGGGGCTAGTGGTCCGTTTCCC
CCACTTACATTCAGCCAGTTTGCAGCTGCTGCATTGTTCTGTTTCACTATCAGCAGGCAG
GCCTCTAGTTTCGTTTCGAAAATTTCCATTTTTGCGGCCAAATGTGAGTTCAAATGTTCT
GTGGGCAGAAGTAAAGTAACAACCTTTTTTAAAGTGGCTTCGTTCCCTGTGAATGG
CAAGATGGCACGGCTTGGCGTTAGTGACAACCGAGGAGGCTAGCTGCCTTCACCGCCACA
CGGTCCCCTGGACGCATCACTTTTTCGGTAGCAAAAACCTGTAGAAAATGTCAATTCA
ATTCGCTGGTAGTTGTATATCCATGTGAAGCAGAGATAAGCTCCGCCAACTCTACCCGTC

>EP78334 (+) Dm CG8232; range -499 to 100.

GGGGCCGCACTGGTGCAGAAACCCCGGCTCCAGGCACCGGAATCTGTTTCTTGCCATTT
CGCAGCTCCAGCTGCACCAGCTGGGCCAAAGCCGCTCACTTCCTTGCCAGTGCAGCG
TTCTCCTTGATCAGCTCCTGCTTCTGGCGCTCCACAAGTTGCTGCTGGATGCCGAAATC
TGGGGGGCAGTAGGTTATCGAGTGTTTCGAGGCGCTGGCAGGCGGAAATACTTGCTCGG
CTTCAATGGAGTTGATCAGCGCTCGGCGCGCTCGTTGTTGCTTGAATCTGCTGCAGAT
CGGCCATTGTTCTTTTGTCTCGCAATTTTGAGCAATCTGGCCGTAATTTTTACATG
CGATCCCACAGTCGTGGCAGCTCTACGCAGCATTGCAGTGCTTCTTCTTGCCACGCACA
GTGGCGTCGCGCAGCGTTGGACAGGTAGTTCGTTGGCGGAGAAGCGAGAGTATTTTACA
TCAGCCCTGCCAGGGTCACTTAATCGGTGCAACGCAAAAACGGCTGGCAGTTTTGAGCG
AAATTTGTTAAAAAATAACAATAAAAAGTCGCGTGGGCATCGGCGTGCAGGAGATGGAT

>EP78335 (+) Dm CG1240; range -499 to 100.

TGTTTAACTGAACTATCGATAAGCCAACAGCTTAGTACTGATTTGGGGTGACCAGATTC
AATGCAATTTTGAATCAATGACGATTGACAATCGATAGCACTTTAAGCAAATACAAGAGT
AGGTACAAAGTTAGGCAAATTAACCATATAACATATATTAAGTGCATATGAAAAAGTA
AAACCATATCCATTAATCAATTTTAGATGAATAATTTAAAGACTTTGGCGGTGAGACAGA
TTTTTGGACATTGCCAAACCGAACACACCGTTTATTGCCTTTATAAAATCAGTATTCTTT
TAAAAAACCTCATTATTAAGAAAGTGCAATGGATCTAACACACGCATCGCAATTTTTAAAA
ACAAAAAATAAATACATATTCCTTAATGTTGTGCAATCAGTTGTAAAGTAACTTCCAC
ATACCTGTCTAGCTAGATTGACAGCACTGCCGCTTAATCGAAACCGATAGGAGCT
CTCATCAAGTAGCAACCCTATAGAGACGCCGGGACTTGGTGTAAGAAAAAACGAAAAAG
ATTTGTCTTTTTAAGCGCCGCAAGAATCCGAAAAACGTGAATATACCACCGAAAAACGG

>EP78336 (+) Dm CG14641; range -499 to 100.

AACTTTTAGCGCAAGGTTGCCATACTGTTGGTGAAATATAACAGGCAGGTAAAAATACT
TAGTAAATATATTTAAAGCAGGGCCAAAAGTGCTGTTTCGTAATAATGATAATTAATTGA
ATAACATAAGTGGTCAGAGCGCAGTGAATACGTAACGCAACATCGGAATTAAGAGTGC
CAAAAACCTCTGTGTAAATCGCCAGAAACATTTTATATGAACCTATGCGTGCTATCAAAA
GTGTTTCAGGAACATTTCTGTTAAACGGTTAGCGAACATGAATAGTACAGAATAGTAGAA
TATCGTATTGATCGGTTTCGGATCAGTCGAATGCAATATATTTTGTGTGCATTTGGGT
TAGATATATATTTAAGCAGTGTGAATATGCTATTAAATCAATAAATTATATCGATTGC
TGACTTTGAACTAACTGTCTGCTTCTGGCTCACTTATCGATATTGGTATATCACTCGCG
ACACACCACCATTTTCGACAAAGTAGAAAGCGAATGAGCATTGTCTAAATTTAGCTCGGAT

TTTAAGTGCAAGGTACATAAGTGCCGCTGCTATGTCTATGTCAAAAACGACTAACACCTA
>EP78337 (+) Dm CG6461; range -499 to 100.

ACAGAAGATTTACTTGCAATGAATTGTCATTTCTTAGATACTTGGCGGAAAGGTAAGA
ATCATAATCCATTGAGGCTTTAAAGCATAATAAGATACTAAAATGGGTATATATATTTT
TAAATTTATCGAAAAATCGATGAGAAATCGCTTCTCTCTAGTCCACTATCTAATATGT
AAAGAAGAATGATATCGATGTATTACAGAAGCGCTTCGATACCCAGCTCGAGCAATCGAT
ACGATAGCTGTGCATCGATACATTTCGCTCAATGAAGCTGACTGCACGCACGTCCGTTGCG
TCACCGGCGCTACCTTGCCCTACCGTTTACCGTTACCGTTCCGTTCCGTGCC
GAGCTTTGGCGGTCAAGCTCAAAGTTTCTGTGCGCTATCTTTTCGCGCTTGCAGCGGCG
GCGGTGGCGTTGGCGGTAGTGGGTCTGTGTCAGGGAATACAAGATAGGCGATGAGCGGCA
ACTCGGGCGGATCGAAGCCATCAGTCGATCGCAACAGGTGCTGGTGGTCACAGGCGGGAG
CTGCCGGAATCGAACGGAATCTTGTTGGGACTGTCTGTGCTCGGTGGCCTTTGGAGAACA
>EP78338 (+) Dm CG8963; range -499 to 100.

TCGACTGTGTGACCGTTTTACGCGAGGGAAATAATATCGAATTATATATAGGGTTGTCAA
GTGGTTCAAAAATGATTTTAAATCGTAATCTGAATTGTAATTCGATATTATATTGCGTGAT
TTAAGATATTGAGAATTTGTATATTTCTTAATAAGAAATACAATTTACATTACGATTAAAT
TAATTTTTGAACCGACAATAATATATAATAATAAAATCTTATTTTATATATTAAGAA
TTTCTTATTATATTTTAAATATATATATTTGTTATTAGTTATTAATTTGTTATATATATG
CCACCTTATATATATATGCCAAATATATATCTCTTTTCCAAGTCTAAGATTATAAT
AATACCATGATTTTCTGTACGAAATGAAGTAGTTTATCTAATGCTTATTTTCTAAAAAA
CGGTTTAGCACTTATTACTTTATTTAAAGTGTGACCATATTGAGCCGTATCGATATATCA
CAGACAACAAAGGTATTCAGTCCAGGTAAGTTTCTAGCCACTTGCAGCCACACCGA
CGGTGAAAAGGCGAAATAATAAATTTTAAACAAATTGCCGCAGTGTAATTAAGGTGCGT
>EP78339 (+) Dm CG9467; range -499 to 100.

CACTTCGCCGCCGGCATTGTTGGGCTTTTTCGAAATTTTGAGTGGTGTCCGAAACTAACT
AAAGCGTAGTTCCAAAGGCTCAGAGTGTGACAGCAAGATCCATGAGCTTTTTGTTTTGAT
GCTTAATACAAGTCATAACTTTACAATATTTTCAAATTTACCACCAAGCGAAATAAACCG
TTGCTTGACGAAAAGGTGGTATGACCGTATTGCATGGGAATTTAACCGAGAGTTAGAGAT
GTACACTGCTTCACAAGAAATATCGTTGCTTATAATTGTGGAAATGCATATACTTTCTGA
TGCCCAAATTAATTTTATTTCTATATTAATTATTTTTTAAATGATGAATTGTTGTTTGGAA
ACCATCAAAAACCTTGGTGAGTTAACACATACAAAATCAAAGTGGAAAGTTCAGCAAAA
CAACTAAATGCAACAGGGACCCCCGTAACAGTGACTCGTCATGGCTGGGAACAGTCAC
GACCAATTTGCCCATCCCTAGTTTCTACAGTGCAGTGCAACAAATAATAAATAAATAAAT
AGCCTGGCACAAGAGTTAATCGAATAAATTGCACCCGCGAGCGCACGTCAAGTGGGTTG
>EP78340 (+) Dm CG11857; range -499 to 100.

GCCTGTGATTTCGCCAAGGAAGAGATCGCCAGTGAGTTCCTCAACACGGTCAATTCGTGC
ATAAAACGAGCCAAGGCCTTGCAAGGTGATGAGGAGAACAAGAATGACGACGCGCCGGAG
GAGCAGGCGAGCTCATAAGCAAACCGGATCTAAATATATGTAGCATGTCTAGGATTGTGT
TAGAATATTCATCCAAACAGTAGCGACAATGGCTATTTACATTTTGCTAATAAAATTT
CGATAAACATTAATATTACATTTGAAATAAATTTGACTATTGAATAAAGCAATCGATATA
TTAGAGAGGAGACAAATTCGAGCTACAACCATATAGCACAAGGAACTGGCTATGTTTT
TATATATTAATGTACCTCTACCTATTTTTAAATATCGACAGCACTTAGATAAAAAAAT
AAAACAAACAATTACCTTTTCGCGATAATCGCTCAACTCCCGATTGTTCCATCCCCAGCCG
ATAGTTTGACAGCCCTGCCACTGAGAGAGCATAATGACGTGGTGAACCTCTGTGTGAAAAA
AGAACAATAAATTGCCGACAAATCTCTAGTGTAATTAATTAAGTTACCGCATAGAAACGC
>EP78341 (+) Dm EG 63B12; range -499 to 100.

CAAAGGGCCACGGATCCACCGGCTTACTGTGCGTCCACGAGTTCTGCACGACCGTC
TGCGGGTCCCGCAGCCGCTGTAGGTAGTAAGCCGCCAGTCCGGCTCCTGTGCCGCACACG
AAGCTAGTCAACTTTTCGATCGTTAGGGCTTTTAGGTATTTTCTTTAATTTTAGTTTTGT
TCCGCTGAATAAGTGCGGTATTTAAATACTGCGATTGTTGATTGACATACTAGGTTAGC
GGGTATATAAATACCGCGCAAGACCATTTAGAATTCAACTATCGAAAAGTTACCAAGATG
AATCAAAAATACGAAATATATTTACACAATTATTGTATACCAAGAAAATTAAGGATCCAC
AATCAATTGTTTCGTTAATTATTCGTATGTGTTCTTAAAGAAATACCATGCAATACT
GAATACTGAAAAGTACCAGCGCTGGCACTCCTTAATAACAATCAGGTTGACGCGATATGG
CAACGCCGTAGTGTGAAAATTTGCAATTTTTTTCATTTACACACACAGACGCGACAGAT
ACGCCAGCATCGAACGAAGGACGTAAAAAGCCGCGAGAAAAACGCCTATCAAAGCTGAG
>EP78342 (+) Dm SCU_1; range -499 to 100.

AACAATGTTTTGTTTTATTTAAAGCATAAATGTTTATGTTCAAATTAATTTAAGTTATA
AACCATAAAATAAATTAATGAGTATATGTAATTCTACGGCATACATTTTGGCGTGGAAG
CTAAATACGAATTCATACAATGAATAGCTTATAACTAAAATTTACTGTAATAATCTATAG
CATAAGTTGTTTTAAGCCATTGAATTTGAATAGCTAAAGATTTCAATTTATAAAGACTTGA
ATGCTGCCACCTTAATTGTTGCAAAAACATGTTCTTGAAATAATAAGTTGCCAAGTTAGT
TAGCTTGCCAAATAAAATCTTCACTGTTTGCTGCTCGAGGTAATTTATATTTAAAAGTT
CTTTCAAAATCTTGCAATTAATTGCTTGGTAATAAACAATTTGATTTAAATTTAAATTT
AAAAAAAACCTCAAAATTTAAAGCTAAGCCAATGATAGGAGCCCCCTAACCGTAGGCA

GTATTTTCAAGCGGCGCACATACGGTCACACTGCACGGTTTCGAATCGCTTAACAAGTTT
TTGCTTAAAAAGCTTTGCCGAGCACTAAGTAACCACCGCTTTTCGCACCCACAACACAAC
>EP78343 (+) Dm SCU_2; range -499 to 100.
ATAAAATAAATTAATGAGTATATGTAATTCTACGGCATACATTTTGGCGTGGAAGCTAA
ATACGAATTCATACAATGAATAGCTTATAACTAAAATTTACTGTAATAATCTATAGCATA
AGTTGTTTTAAGCCATTGAATTTGAATAGCTAAAGATTTTATTTATAAAGACTTGAATGC
TGCCACCTTAATTGTTGCAAAAACATGTTCTTGAAATAATAAGTTGCCAAGTTAGTTAGC
TTGCCAAATAAAATCTTCACTGTTTGCCTGCTCGAGGTAATTTATATTTAAAAGTTCTTT
CAAAATCTTGCAAATTAATTGCTTGGTAATAAACAAATTGATTTAAATTTAAATTTAAAA
AAAAACTCAAAATTTAAAAGCTAAGCCAATGATAGGAGCCCCCTAACCGGTAGGCAGTAT
TTTCAAGCGGCGCACATACGGTCACACTGCACGGTTTCGAATCGCTTAACAAGTTTTTGC
TTAAAAAGCTTTGCCGAGCACTAAGTAACCACCGCTTTTCGCACCCACAACACAACGCCA
CCAGCCAGAACAATGATCAAGGTACGTGGGGTGCTGTAAATAAGGATCACACTGCGATTA
>EP78344 (+) Dm ENDOA_1; range -499 to 100.
ATATTTATGTATTGTAATGTTAGAAATTTACGCGCCAACTGTTATTCTAATCTAACAGC
TATTCGATTAAACAGCATGTACAAGGACAGAGCAAATACAGAGACCGACAGTGGGACCGAC
CATATTTTATTCTAGTCTAATAATTTCTGCCAATCAACATAGATTTCAAATTCAAATTTATA
ATGCATTAAACATTATAAGTATTAGATTTAAATGTAAGATATTATGTTAACTGTTTATGT
GCTTCTGGCTTCTTAATATAAAAATATATATATTACTTTAATTTTTAATATTGTTTTGATA
TATATATATAACTATCTAATACCCCCCTGCAAAGAAATTAATGAAAATGTTAAGTTGTA
CCTCACATCTTTAACATATGCCTAGAGATGAGCGTATCCCGTGATGTCCGTTGTTGTAT
GCGAATGATTTTGGTATTTTACGAACCACCGGTCACACTGAATGTTTTTAAACAGAATTA
TCGATAGTCCCGCAGCTCCAGTGGCTTAGTGCCGTTGAAAATTGTTGTACACAGTCAAGA
TATTGATTTTTCGAGCCGAGAGGAAAACGCGACCCACAGCCCCCGCCCCCTGTGCGCG
>EP78345 (+) Dm ENDOA_2; range -499 to 100.
CAGTGGGACCGACCATATTTATTCTAGTCTAATAATTCTGCCAATCAACATAGATTTCAA
ATTCAAATTTATAATGCATTAACATTATAAGTATTAGATATTAAATGTAAGATATTATGT
TAACTGTTTATGTGCTTCTGGCTTCTTAATATAAAAATATATATATTACTTTAATTTTTAA
TATTGTTTTGATATATATATAACTATCTAATACCCCCCTGCAAAGAAATTAATGAAA
ATGTTAAGTTGTACCTCACATCTTTAACATATGCCTAGAGATGAGCGTATCCCGTGATG
TCCGTTGTTGTATGCGAATGATTTTGGTATTTTACGAACCACCGGTCACACTGAATGTTT
TTTAACAGAATTATCGATAGTCCCGCAGCTCCAGTGGCTTAGTGCCGTTGAAAATTGTTG
TACACGTCGAAGATATTGATTTTTCGAGCCGAGAGGAAAACGCGACCCACAGCCCCCG
CCCCCTGTGCGCGACAGTATTAGTAGTAACGACTCACGGTCTTCAAACATTACGCAGC
CCAAGGTTCTGGAAAAAATCGAAGATTACGAGCAGAGCAACAAAAAAGGCGGCGAG
>EP78346 (+) Dm SQH; range -499 to 100.
TGTGTCCATACCGTATTGAAAACAATATCCTAAGATAGTGGTACTACCGTATTTGGAAGT
GCTGTAATATGGGGCTGCCAGACTGTGCGCATACTCCTGAAACTCCAATCAGAACGCGGG
CAATTCAAAAAGTTAATACCAAAAAAAAAAAAAATACCATGTTTGACAGTGAAGAATAAAG
AAAAATAAAATTAATTGGGATTGCTTAAGAAAATTTTTGAGAACTTTAGATTCTACAA
GAAAAGAGCTTCTTAGGAACGAATATTTTAAAACAAGATCTGGTAGCACAACTGACAATA
GGTTTTTAGGATTCTAATAGCCATGGTCTAGTCTCAGTAGTATTACATTTGTAATATA
ATTTTATATTTTATAATATAATTTATAGTCTTAATATTTATTTATTTTAGGAGCTCCAAC
AATTAGCACTTTTGACAGTAATTTTAGCATATTCTGCGGTATTTTCTGATAAATTGAA
ACCGCCTCTATGCTGGTCACACTTGGCCTTCTCGTGAACCGAAATTATAAAGACAAAA
GTGCAGCTGGTCGAAAGTTGCATTAACGAACTTCGATAGTATTAAACACTCGGCATTCTG
>EP78347 (+) Dm CG12130; range -499 to 100.
CTGCTTGTGACCAGAATTTGTGCGGCAACTCCTCGGTCTTGGTTATTATCTCAATACT
TTTGTTTCAAGTCTGTTTGGCAGATTTTGCAATGATATTTCTTCAAACAGATTTTGCTAAA
AACACGGAAGTAAACAAAAGTGAAGAAGTGAGACCGAAAACGTAACGCCTCTTAAA
CAGCTGTTTCGATCAGGGGCGCATCATAGAAGAGGGATTCAATTTACATGCTAACTGTATG
AGGAAACATTTAACTGTAACTGTAAATATTCTTCTATTGTAAGAAACCACCGCTTGC
ATTTCAATTTAATCAGTTTGGACGATTGATAATTCATTCAATCAAAATATCAATAGAGC
GCTTGTAAACCAATATGGTTACATTATAGCACAGCATAACTGCATAACATTGAGCCCCCTG
TAAACACACATTCTACCTGCGCCGCTGAACAAATAACATCTCAATCGCAAGCAAAGATGG
CCGCGTCATAAGTTGATTTGTAGTTCCAAAACGAGACGAGACGTTTGTTCAGAGCACAA
CTACGCCGACTGGATCTCCGCCAGCATTCGGGCAGCTATATATATACATTCTGAAGGGAC
>EP78348 (+) Dm HOP; range -499 to 100.
GTTGCAAATAAAATCGATGATTAGTTATCGATATTTAGTGTTCCTTGGCAGCATCGTTTTT
CGATACCTCTGTTCTTAATTTAAATGTTTTAAATATGCTAACATTTTAAATATTAATTT
CAAATATTTAAATATTAATGCACTTAAAGCCTGAGGACTTATTTTCATTTGACTAGAA
AAATTTTACAATTCAAAATAAGAAATTGAGAAAATTATTTACGCAAATAATAATATAATA
TAAACATAAATAAACAATAAATAAATAACATTTAAATTTCTATAAAGCTCAAGGTATTA
TTTATATTTGATCAACAATTTTTTAAATTTATATAAGCAATGGAAAAAATTATTTAAGAA
GGCTTGCTGGTTTTGTTCCCCGCTTGAGAACGAGCTAAGTTCTAAACCGCAGTCTGGAAA

AAGATTAAATTCAGTCGCAGAAGCATTGACAACCTATCGATTGCTTCTAGAAAAGTCGG
CATTTTTTCGCATTTTACCTGGCAGCGCATTTTCGCAGCGTGTTTTATTAATAAGTCGT
ACAAAAATACAGGAAAACTGTAATTCGACAGCGCTATCCTCTCCCTTATCAGAAATGGA
>EP78349 (+) Dm CG8282; range -499 to 100.

ATTTAGTGTAGTCTAAGTCGATTAACTTATCTATGTAAATGATTGTCTTGAATTGTGTA
TGCATGTACCTACGACTACTCAAATACAATGGGTATGATAACAATATCAATTGGCTTTTA
TTCAACTCCCTTGATTCTATCATACTAACTACCAAGGCTCTTTTCATCTAATCAAATT
AAGCATTATGTCGCGTCTTGTGTGGTTAAATACACGCTAAATAAATTTTATCTTTGAGTG
AAAAATGGGAAAAATTTTTGAAAAATGTATTATAAAATTTGTTTTAAAGATGACTGTCA
CAGCTAAAACAACCAAAAAATCTAATATAAATTTCTCGTGGCAATAAATTATGATATTAATC
GAATATTAATGATATTTTGCTGGTAGAAATAAAAAGATTTAATTCCGTAGGAGTGAACCA
TTATATTCATTTTCGCAATTCAAATTCGATCGCAAGCTTTTTCGATATCGATGTTAGAGC
TGCGTGTTATCGATTATTCGCTAGTCCGCCTGATGCCACCTCTAGTTGAAATTCGCTCTC
TGTAATTTGTAATAAAACCTGTTTTTAGCCAAATCATTGTATTACTTGGCCGCAAG
>EP78350 (+) Dm BCDNA LD09852; range -499 to 100.

TAAAAATGAAATTATGCGAGGTTGTGTCAATTTGTCATTTGATTAAATTAATTTTGGTAG
GCAGTTTTGGCTGGCGCTATATGAATAAATGGAATTCATGGTTAATATAAATGATACTG
GTACTTACTCAAAGACACATTTTGGGAAGATGTTTCGTATTAAGAATAAATTCTTACTT
ATTCGTCATTAACATTAAGAGGATTTCAAATAAAAAATATATCACTACATCGTTTGGAAT
AGTTCTCCGGAATATCGGTATTTATATATTTTTCACATTTATATCGATTTGAAATAGGC
ATTCAAACAACGGTAGTAATAACTTTTTTAACTATCGATGCGTATTCAGAATAACGGT
ACTAATAACTTGTCTAACTATCGATGTGTATTCTGAATAACGGTAGTACAAATTTTCC
CAACGGTATATCGATATCCATCTGGGTTTTTACTGTCTCGAGATCTGGTCACTCCCCGT
GCTCACCATTTTGTGTTGCAACGTGAAAACTCTCATTTGAGAAACGCTGTCATCCAATTT
AACTGCAACGAAACTGTGTAAAGTAACTATAGACGCTTGAAACCTCTGCAATATAGT
>EP78351 (+) Dm CG7319; range -499 to 100.

GCAGGGCCCCAAATCGAGGAAAACTAAGCACTCGTTATAACGGACGCAACGCGCAGCTC
GCGCTGGAGTGACCGTACGTGGTGGCGCCAAAATATACCACGCAGCCACGGAGTTGTAAT
GCTGCGTAAGTGCTGCCGATCGAGCGAAAATGATGATGATTGAAGGAATTAACACAGG
CAATTAAGTGCAAAACCATATTTTTTATTAACCTATGAACAAATTAATTTTAAATTTA
ATAATTTGAAGTTTATCCATAATTTATTGTATCTAACTAAATAAAATTTGTTATATTAT
GTTATAGAATATGTTATATTCAAAAGGTAACACAGGAATTTGACAATATAACATTTGTTA
ACCCAATGAAAAATAATACAGAAAGTACCGTTCCAGCAAGCTGTAACTTAACAGTGC
CTTGTGAATTTTGTCAAGTGACCGCTTGTCTATCTGACGGTCAGCTGCGGCCACACTA
TTACCGTGCGACAGATTTCTAATTCTCAAATCGGCGAGGAAAGCACGAAAAAAGGCCG
TTTAGCAGCGTTTATAATGTCGGCGTGGAGCAGGGACCTAAAATCAAGTACGGGAAAG
>EP78352 (+) Dm MARF; range -499 to 100.

GCGCTGTATCCCGCTCGAAGACTGCGGGCTTATGGTGTCTCCGGAACCGGATTTCTCTGG
CGCCACTGCTACTCAAATTGTTCAAGCTGGTCAAACAGCTCGTCCGTCGGAAAACCTCTCGT
CCTGTAGACTCATCGCTTTTTATGCGGAAATCCGAAAAGCGGGGAAATAATACAATTAA
CACGAGACACAAAATTACACGCGGATTCCAATTGGAGCGGAAAGGCGCGTTACATTCT
GGCTAACTGGAACTGGCTAGTGTGACCATTTCCAATCAGTGAAAATCATTGTCAGGGTA
AATTCTATTTTTAAATTAGACAAAATTTAAATTAGACAATAAAAAATAAAGCTAGG
TGGTAGTAATTGAAAAAATTAATTTCAATTAAATATGGCAGCGAATTGAAAAATACCA
TATTAAGCTTTTCGACTGGCATAAAAAATATACTAGACATGGGAAGGCATAAAAAATGACTA
ACGCCGGATGTCAGCGAACACATGAGTTGGTCACCTTAACGTTACATCATGTGCATTTA
AAAAAATTAATAATTAATACTAAATTTCTGTGAAATGCTTCTCTGCAACTGGATTCTAG
>EP78353 (+) Dm CG2158; range -499 to 100.

CTCGTGCACCTTTCCCTGGCACTATATCCACACACTGGCGTTCTCATCATCC
TCATGCAATTTGGCTTTTTGCTTTTCGCTTTTCGGTTTTCTGCTTTTTGGTACTGCTCG
TACTACTCGAGATGCACAATTAACCTTTGTCTCTGGGCGAGGGAAGTGCAGTACCCGGA
ATCGCGGCAATCATGGTAGGATCAGAAACACACTCGGACTGGTACTGCTACTGTGACTGG
GACTCGCGGCACTGGACATGGTCTCTAACTTTAGGCGTGATTAACTTTTGTGTTTA
TTGCGATTTTGTGCTGCTGGCGTCTCGCTGTTGTTACCTATCGATATGCTATCGAAAGC
AGCAGGCTGTTTCTGCTGACTCACAGTTACGTGCCCCAACTGAGGTAGCGATAACATTTA
TCGACCGCCAGCAACGCGGTGTGGATTTTATTCGGTTTTTTTTTCTTTTCACTGGCAT
TTGCTTTGAGTTTTAATACAGAGTAGAACAAGATGGCTGGCAAGCGACAAGCCACTTCGA
ACCTGAACCACGAAAACCTGGGACCTGGAGGAGGAACCCGAGGAGCGCGGCACATTCCGCA
>EP78354 (+) Dm CG4612; range -499 to 100.

TCTCGACCTGGTCTCTGGGCGTGGGCTCTGCGTAGGACAAAATAAGATCCTCCACGGCGA
CGAAGTCGCTGTTGTCCACCGCAAGCCGCTCGTGACCCCGAGTCCGTCGAGCGATGGCGA
AAGTCTGGCGATCGGCTTCGCATATTTTGCCATTTCTGTCGATAATGTTACTCCGATTTG
CCGCCGCGGAACTGTGGCGCCACGTTTCGCGCGCATGGGCTCCTCTTCTTGGGATAGCC
TGTTCCGATGACTTCCCGATGCGCCATTCTGGTCCATCACGTATCTAATTGTTTAAATG
TGTTTTATTTGAAGTAAGCAAGTGTCCAATGCTTTTGTGGTTGCATTTCCAAAACAAGGG

GTGCAGTGTGGTAAGCGTTGCTTTGATGGCCATTATCCGCTAACTGTGGAGGGTGGACT
TGCTAAGCAATCGGGAGCGAGAAAGTCATCGATGGTATGGCCAAGAACATGAAGGCCTCA
CGTATCGATGGCAGATGCATCGATGTTTTTAACATCACTAATCACTAGTAGCGACAGTT
TTTGCATAAAATACAATTAATAATAAAGGGCCATCGCCGAAGCTGCAAAAACCAGGTTT
>EP78355 (+) Dm PEZ; range -499 to 100.

GTTGACGGAGGGCGGCAAGTGCAAGGGGAAGTGACGACTACCACGGCAGCAGCAGTACT
AAATTACTGAATTCAGAGGGACCGTCGTCGAATCGCGGTGTGGATTTCTCAGTTGCGCG
CACTTTCCAGCACTGGAGTTGGAACGGATAACAGAGCTATGCCAGCACGCCACCTATGTG
TCCAGTAGCTCTGTTAAGTTTGATATTTTACTGTTTCGCTAGAAACCGTTATTCTCTTGCT
GTGTACAACGAAGTATTCTGTGTATCAGTGGTTTTAATATCTTTAGGAATTTTATTTAA
TCACTGCTGACTGCATTGTTATATATTTTAAAAATATAAACTGTTTTGTTTCAGTTACATA
TTTCTTGTTGCACTTGTTTTCTTTAACAGAACTAAACCTATTTTCTTGACGCCCACTGC
GCAAAGACATACCGATAGTCAATGCCGCCTATCGATCCATTTCGATGCCAGCCACCGAGAT
ACTCAGTCAGCACCTGCGTATCGATATCAGCACTTCGGTCTCTTCGTTTTATTTCTCGTG
AATTCCTTTATTTATTGTCGTTAACTGCCCAATTACTATCTTTAACTTTACTTAACCAAT
>EP78356 (+) Dm BG DS00180; range -499 to 100.

ACTTGCTAAGAAGCCCCGAAGACTTTTTATCCAAATAAAACAAAAAACAAGAAAGGA
TTGCTAGTACGTTCTCGCGGATTTTCCCAATATAAATTTCAATTCAAGATTTAGTTAATT
TATTTTATTTGCTTTTTATGTTCCCAAATTGATTTGATCACATTTGCACCCATATTTTAT
AAGCCACTTTCAAGTTGGCGGCTAAAGTCACCAATACACACAGAGAAAAGCCGCAATTGC
GTGAGTATTGGTGGCATGCCAGTGTATTGGTGAGCGCTTCCGCTTGCAACTTTCCGTGCC
GCACTAATACACACAAATATAACCAATACAAGCGCAAACCAAGCCGAAGCTCAGAGCTTTG
AAGAGAGCAATTAGGCTGGTTTGTGGTGGGAAAAGCTTTTGAAACCGCTGAGCGACTTG
GTTTGGCGGTGTTTTAGTTTTCGTTTTGACACAAAACTCTTTGGGGGTATAAAAGCGCG
CCACTGACCACAGACAGCATCCAGTCAAAGGTTTGAATCGCTAGTGATTCTACAATCCT
TCCACAGTCTATTTGCTGTTACTGAGTTGCTTGTAAGTGAAGCCAAATGCCAAGTTAAT
>EP78357 (+) Dm CG8602; range -499 to 100.

GTCTGGGCTTTGCTTGGTGGTGTGCGATGGGATCCATTGCTGCAAGGGCCGCTGAATTAT
ATAATTAATACATTTTACCCGGTAAAAAGTATGAAAACATGCTTCAACTCGGCGTTGCT
GGATTAGGGTTGTCAGGCTATACTAAATTAATCAAAACAAGATGCAAGAGATTTCTGCG
TCGTTGAGCTCTTGACTTAAATAGTTTCTCAATTAATGATTATCTTGTTTTATTAATAT
AATCAAGCGTTTTATTTTTATTTATATAATTCTATTATATAAATAATCATGGCTTACTA
AAATTTGCATTTCAATTAGAGTAACTTTTCGATTATAATGGAGAGCAAAACAGGAATACC
GTTTCATATTTGTGATCGTTATCGCTGCCAGCTGTTTCAATGCACCTGTAGCTGCGTCGA
CAACCCTGCTCTACAGCGAGTTGGCAGCCCCGCCATTGTATATGCGTAATTAACGTTAAT
TAGGCAGAGGAAAGAATTTAGTTTTATTTCGATCAGCAATAAAGTGCAGTTGCACACGTCA
CCGAACATTTGTTGCCCAACACCGCACTGCGAACTTCAGCTGCAAGTGGAGTGGAAAAAC
>EP78358 (+) Dm CG9780_1; range -499 to 100.

GGATTTTTCACTGTGATTGCGAAGTTCCCAAAAACCCCGGACACTTACCTTATCGCGAAT
GTCTTGCTCATCTTCTCGCGCTCCTCCTCATTTCGCGGTGCTTTTCCTTTCGGCGGTC
CTCGGCTCCTTGATGGCCTCCTGACGCTCCCTCTCCTCCTCTGCCTTTTCCTTGTC
GTCGCCATCATCGCTCCATCACCTCCTACAGCGCTGTGTAAGTGACGAGGTATAAGAT
GTTTAGTATGAGATTTAACTTTGCGCTTAAAGTTTTGTAGAAATTGAGACAACCTGGAC
TAAGTTTGTTTTTAATTTACTCAAAATCGGCCGTGACCAATTTTAGATTGAATCAAACC
CCGACATCTTGACACATATGATTAACGTACGCCTTTCAGCTTGGCTCGTTATCGCCTAGC
GTGTTATCATTTCCGAGTGATTACATTTTTATTCCAGCACCCTGTCTCTGACAGGGAAA
ACAAATGGGAAACCGATTAGTTGGGATCTAGTGTGTCTAAGCCGCAGTCTGGAAGCAGAA
GCACGGAAGTGGGCGAGGTATTAAGAGCGACCTTTTGTGTTCCGACCTCTAAGAAGAA
>EP78359 (+) Dm CG9780_2; range -499 to 100.

CCCTCTCCTCCTCTGCCTTTTCTTGTGTCGCCATCATCGCTCCATCACCTCCTA
CAGCGCTGTGTAAGTGACGAGGTATAAGATGTTTAGTATGAGATTTAACTTTGCGCTTA
AAAGTTTTTGTAGAAATTGAGACAACCTGGACTAAGTTTTGTTTTAATTTACTCAAAATCG
GCCGTGACCAATTTTAGATTGAATCAAACCCCGACATCTTGACACATATGATTAACGTA
CGCCTTTCAGCTTGGCTCGTTATCGCTAGCGTGTTATCATTCCGAGTGATTTACATTTT
TATTCAGCACCCTGTCTCTGACAGGGAAAACAAATGGGAAACCGATTAGTTGGGATCT
AGTGTGTCTAAGCCGCAGTCTGGAAGCAGAAGCACGGAAGTGGGCGAGGTATTAAGAGC
GACCTTTTGTGTTCCGACCTCTAAGAAGAAAACAAGGCCCACTACCTCCGGCGCAAACG
GCAAAATGGCGTGTGCTCATTTTGATTGAGCGACTACAGCACCAGCACCCAGGAGAAAT
GATTTCAAAGCACTGGCCGTCTGTGGATAGCTGGCATCGCTACGGCCAGGACGATCT
>EP78360 (+) Dm CG6554; range -499 to 100.

TCCATTTTGATAGGGTAAACAAAGTTAAAAAGAAGAACTGAGGTAATAGACGCTACTTCT
GCTTCGCTTTATATTTGTTTTTAGTAAATGCGATGTGCGAATATTTTGCCGCCAAAT
TACCGGGCAAGCGGTAGCTAGAGATGAGCACTTACCAGTAAACTATCGGATCTTATTTA
CAACTATCGATGAAACGTGTTCCAGTTTATGTATTTTGTAGCAGTGAAATAGGACC
AATACAACAAGCATTGCAGCAGTTAATAAACCATGAACGATTTTATTATATCTTATTGAT

GTTATGACAAAGATTATTTTACTCGATTATATGGAACATGCCTTAGACAACACTGACTCCAA
TTCTTCCCAGCTCAAAAATACTAAAATTTAGAAAAATCCAATAATATCGAGCTGGCGAT
ATTTGTTTCCAGCTTTTGTGCGGGGCGAGTGTGATAAGCGACCTTTTAACTAGCGTGC
TGTAAGAACAGTCCCATCATTTAGTCGCCAATTTTTCGACGTGAAAAACCAAGAGACGC
CGAAGAAATTAGAAAATGGTAAGTTTGGTCAAAATGTGACGGCAATCGACAGGCCAGTA
>EP78361 (+) Dm NU54; range -499 to 100.

TCTTTGGATCTGGTGAGCAGAGGTTGCGATGAATTTGAACGTTATTGCAATTAATTGG
AATAATTTCAAGGAAATTTGTATATGGTGTATGTCTATTGATAACCAAAATCTATACTAT
GCTATGCTATAAGTGTATCAATAAGAAAAAGAACAAGCCCAAAGAGTGTTAATTATTAG
AGTCACGAAAGAGTTTAATGTGAAAACAACAAAAATAGTATCCATTTCATGGAAGTTACTA
TATCAAAAAGAAAAGCAATGATCAGAAAGGAGGATATTATATTCAGTTCAAACATTAGAG
AGGAGGCGTAAACTAGAAATTA AAAA ACTTGACAGGATTATTGAAGTGGCGAATTGATTTTC
TTGCCGCCAAATTTCAAATTATAGCGTACTAATAATCAAAAGTCGGGCCCTAAGACTATCG
ATAATTTAGACCGCGCGGCAGTGTACCAAATTAATAAGGGAAATTCAGTGTGTGTGTC
AGCAAGGGTGAGAGCCCATTTACAATCTGGTAACACTGCTAGAAAGCGCCAAAATTTTAC
GTTTATTAGGATTAAGACTAATTTTATTACAATAAAATAGAATTGTACAAATTCGGGCC
>EP78362 (+) Dm CG5787; range -499 to 100.

TTTTTTGTTGGTTTTCTGGTTTGACTTTCTGCTCATGTTTTATTCTACATTTTTTCAA
AGAATTTGTGATTCAATATTTTTCAGGTTGTGTGTTTTCTTGGTAGTGAAAGTGTAAGTA
TGTATGTAATATAATATAACTTAATACAACCAATTCATTAGTAAATATTACTATAAAA
TATAGCTCTTTAATTAACACGATAGTAGTGAAAAGAAATTATACAGTAAGCTTCTTCTC
TATAAATATCTTGCTAAAGAAATTTTTTGGAGATGGCTTTCAGAATATTACCGAATCAA
AACCGAAATTATACATTTGTCAAATGTTGTTTATAACAAATCACATTTGACATAATGCTT
AAAATATAAATAAATAAATAATTTATTGCAAGGTATTCCTAACTAATTCAATAGCGGTATT
TTTCTATCACGCTCAGTATTTTTCAATAAAAAATACCAACTTCGAATCGGACTTATTACCA
TTTTGAGCAGCCGGCTTTTCATTGCTTTGCAACCCTGGCACCAGACAGTGAAAAATTCGGG
GAAAGGAAAGCATTTTTTGTGCCGCGTTTGTGTGTTGGAAAAAATCGCAGAGAAGCCAG
>EP78363 (+) Dm S6K; range -499 to 100.

GCATAGAACTTGAAGTCACTGCGCGTGGTGTCTCGGGGGTAGAATTTTGTGTACTGC
TACTACGCTGCTGACTCCTCCTCCCCAACGTCACCTACTTGTGCGCAATATGGTCAGCA
GTTTCGGCCACCTGGGAATTGCACTCGAGTAGCTTCAGGTTGCTGCCGTACTCCGCCAGGA
TCTCCTCCGATGTGGCAGCTGGCACC GCGCATGTGCATGCGTGGGAGTGTGCAGCTGTT
GCTCCTGCTCCTGGGCTTCTGCTGCGGCTGCTGGTGATCTGAGGAACCTGCTGCCCTCCT
CCGACTGGGAGCCGCTGCTGCTGGGCGAGCCGGTGCGCATGACTCGGCTATTTGGTTGCT
ATCACTGGCTACATAAAATAAATAAATTA AAAA GAATTGTACGTAGCACTTTGCTCCTCTA
GCGCGTGCTTGCTGCTACGGCCACACTTTGTGCGGCGATTGCCGTTGCTTGCCTCG
GTAATTTCTAGCAATTGGCAGTTAGCGCACGACTGGCCCACTCAGCAAATCACCTCGTG
TTTCACTCGCAAACAAAGAAAAAAGTGCATTTTAATTACTGATTACTGCATTGCGATTAG
>EP78364 (+) Dm CG6190; range -499 to 100.

GATCGCAGGTGCACGGGCAGCAGTTCAGGTGACATTCACGACACACATTGCTGCACT
TGGTTTTGGCAATTGGTTCAGAGCCAGTGGTGCATTGCCACCTCCGCTGGTGGCCAAA
TCCTCTTGCTCCGTCATCTTGCAGCTCGGATTGGTTTCTCCGGCTGGTGGGACTAACTCA
TTGCATTGCTCCGGCTACGGAATCCAGTATTTTCTTCTGCGTATTATTTTCTTTTTT
TTTCGAGGAACGATAGATCCGATAATACGGACACGGTGTATTGGTTTCATACGTCGACA
GCTGATAAGACCGCCGGTGTGTCAGCACTGGCGAGCAACCAGTTTTTCGATAGTTCGA
TTATTATTAGTATTAGTCATAATATCCCTTGAGGTTTACAATCACGTTTAAAGTGCAA
ACATCCAACGGACGCTATCGGCAGTGACTAACAATACTGTCCGATAAAGAATGTGCCTA
TCGGTGTGCTGTCGATACCTAGTTTATCGATAGCACATCGTTTAGAATGATTTTCAAT
ATTCGTTGCTGCTGCTTCATTACATAAACACTTACGCTATTACAGTCAAAATGTCAAAA
>EP78365 (+) Dm EG 22E5; range -499 to 100.

CAGCTGCCCCGATCCTGATGCACGCTCTGGCACAGACTTTGTTTCTATGGAAGTGTGTG
GACTGCTGGCGCTTGTGCTGCGGGGCCGTCCTGCTTCGAGGCAGAGAGCAAAATG
GATAAAATGGATGCCCTCAATCTCTTCTGCGGGGCTTCTGACATGTTCCGCCTTGTCTT
GGCCCTTTAGTATTTTAAACTGTTATCGAGCACCGCCGAGTTATCGACAGTAATCGG
CTAATCGAGTCGGGAAAAAGTTACTTTAAACCATTGTAATCACTATAGAATACCGACAC
TGAAATGTAGAATGTAGTCATAAACTTTTTTATTACGTGTTTAAACCATTCTGCGACTAG
TTTTTTTTTGTGCATAATATCGTAAAGCTTTAGCGATTATTTTCGAAACAACATATCGCC
ATATCTACTGTTGCGATAACTTTTCAAGTTACCTATCGAACTGTTTGAACAACCGATGGT
TTTCGAAGACACTATCGCAAATCGCATACCGAAGTGATTCTGGTGCATTTTTGTTTCTT
GTTTGTGCAGTGCAGAACGCAAAATAAATGCGCCGAGCCTGAGTCAATGCGAGCGGACAG
>EP78366 (+) Dm TAP-DELTA; range -499 to 100.

AATTGATATGGGAGGAAATTAAGTCTACATATCTCAATGCCCTATAATTAGGAAAGATT
TATTTTGACAGGACTGACATCATTAGTAATAACTTTATTCCAAATAAAATGAATCCCAT
TTTTTATATTTTTATGTATACGCACTTATTTTAACTTGTATATACAAATTTTATAT
GAATTTTATAACATTTACGTATACGTACTAATTGCTATCATATTGAAACGACAAACATTC

CCGGAGAAATCTTAACATATAGATGTCATTAGGAAACTACAAAAACCGCTTTCTAAAAC
TGTATTTTTAGATATAACAAGTAAAAAATCGGAAAAATTTACCACGGGCTACTAGCTATT
TTGTAGCTATTCTCGACTGAGCGTTGCCATCCCTGGTCACGACCAGTGTGACCATCGAAC
TGGTACGACTTCGGCAATTTTCGTAGCTGTCAAGTGACGTGACGTATGTATGGTGCTGTC
GTGGCGTTTCGCTTCCAGAGAGAAAGAAAGTCGAGGTCGCCGAGTTGGATAGCCGTAGAG
TTCCGCTATTCCATTGATTACTAAATAAAAAACCACCTCATAACTTGATCAAGATGTCCC
>EP78367 (+) Dm KR-H2; range -499 to 100.

AGATGTCGTCGTCCTAATTAATTATTTGCCACTAAATGAATCTTAGAGCATTCAAATCA
AAATAAACCAAAATGTGCGTTTGAAGATTAGAGGTGCGAAATTAGCGATACAAATGAGAA
CTTATTGGGGGATTCCAGGCCTTGGCGCTGTTTTCAAATTGTAAATTATTAGAACTTA
GGCCAACTGCGATATTGAAATTATACTTTCAAATAATATGCACCTTAACCGTATGCAAA
TCGATTACCAATTTTAATTTATTTAAGTTATTTATTAATACAACCTAGCTCCAGAAACC
TGTATCGTAACCTTTATTTGACAACACATTTTCAAACGTACTGAATATTTAGGCGTTTA
ATCGACAACCTAAAACAGCAACTTTCAAGTACGTGGTCTTTAAATTTTCGTAAGATCGAGAA
AGCAGTGCGATACAAATCGGTGGCAGCCCTGTGTCAAGTTCGTTTTATCGAACTAGATCA
ACTTTGCCGTCCATCTCTAGTTCGCACGGGAGCCCCGACCAAACTGATACGTATTAATT
TACGAGAAAACTTGCCTTAAATTCGAAGTCACATCATATCGCAGGCTGGAACGTACCTG
>EP78368 (+) Dm CG13096; range -499 to 100.

GGCGGCGTGTGAGTCAAGGACATTCTGTGCTCTGTTGAGGCGATTAGGCACGCGTGCAGC
TTGCGGAATTTGACTATTCTTAGAATTATTTACTTAAAATAACTGTTTGCTATGTAAATA
GTACCCTAATTAAGAAAGCAAAGCAAGTAACGTAGCCACTTGTTTTTTTGTTGGATTAG
AGTAGAAATACTCAATCATATAATCATCATATAATTTCTATATTACATTACAAAATTAA
AAAATTTAATTTATCTTCTAAGGGAGAAATAGAGATGGGATACAAATCGAAATCGATAT
GCTATAACGGTCAATTTTCCAATCGTTTTTGGTGAAACAGCTGCTATTGGTGCTCGGCCC
TGCGAAGGGGGTGTGTATTGGCTAAAGTTGTGACCGTGCCTGAGACATCGGTAAATGAAAA
TAGTTCCCGATATCGACTGTAGCTACGTTTTGCGATTCTGAACATATCGATATTAAAGCG
TAGCACGTGTGGTTGTGGTGCATTTTAAATATAGTTTTGCTCGAGTTTTTACGCATCTGT
CAAAAAAGCAAAAAATAATATGGTTAAAGTACAGAAACCGCAGCCCAAGTCGCTGAACAA
>EP78369 (+) Dm L(2)35DF; range -499 to 100.

ATTCCTCATATTAACTACTATATCCAACATGATTTTATTTATTTTATTTTGCATTAAT
TTTTCGAATTTATACGAATGTGTGAATATGGCACCCATATATAGATTTTCGATATAGTAGT
CAGATTTATAATATATGTTTTCAAAAAGATTATATATTTATTTATAATAACCAATGCATG
TTTTATTTAAATCCTGGCAGCACAATAATTAATAAATCAACTACTTTGCCCATTTTTCGCG
CTGCTTTTTGCTGTGACAGAAGCTGCCATTATATTACTATATATATCTACATGTTA
TTAGTCTTCGAATTAATTCGAATATACCAATCATATTTCCATAATAAAGTACAACATAA
TTTCTAACTATTATAATTTATTTCTTTTATTTGAACCTAATCAAAAAATAGCTTAATTTT
CCCTCAAAATAGACAGACGGTCTTCACTGACGATGGTCGGCAGAATCGATAACCATGTCT
ATCGCGTTATCGGGCTTCACATGTTTTGCGGCGTGCCTGAAATAGTTTCGTAATAATTA
TACAGTAAATTCGCTTAAGGCATGGATATAGAAGAGCTGTTGACTGTTTTGATGAAGT
>EP78370 (+) Dm DAMINOPEP-P; range -499 to 100.

TCAGGCAGCGCTCGAACTCGCCGATCTCGGCGCTGGCGTTACGTAGCCACCTTGGCGCA
GGACAATGCCCTCGACATTTTCCGTGTGATCCTGGCGGTGGTCTGGAATGTATTCCGCCA
GAACGTGAACAGGTGGCAGGCCAATACAAGCTTCCGATGGAAGGTTTCATCTATTCTAAA
AGGAATTACAAAGAAAAAACACATTTAATTACATCTACAACATTTTTTAAGATCTTAGTT
GAATTCCTTTCAAATACTGTTGCTGAGCTTCTTTATAAGAGTTATACTCCTTTTAATTAT
ACATTAATAAACATTAATATGGGATAAGTTTCTTAATGAAATATTTAAATTGTTCCCGCTA
CACTTTTAGTGTTACCTTTTAGGCAAAAGCTAAAAAATACTGAAAGCTTGGAGGCGATA
TGAAATAATATAGTTTCAGCATTTTTCAGCTGCTATTAATTGCAAAATTGAATGTGTCAGT
GCAAAAAGATTATAAATATTTGCACCCGTAGTTTAAACAATAGTTTGACAGCCTTTGT
AAGTGTGACACTTATATTCGCCCGATTATTTATGTATTTATGGGATACAAGAACTCGAT
>EP78371 (+) Dm YU20; range -499 to 100.

AGAAACCGCCAAAAGTTATAGATTTTTTAAAGCAAGATTATTTTTTTCGCAGATTAATG
CCTTGTTGCTAGAAAGCTATATATATATATATATATTAATATTAAATATATATTTATA
ATTAGCAATTTTTTATACAGTGAACAAGGTACATGAAATCCGCCGGTGCAAAATTATTTA
CAATTTTTACTTTGATTGGAAAATTTATTTATTAATTTGCTTGGAATACGGCAATCAT
TTGTATTGCAGGATTGAAATCCAAGAACAACATTTTGATAAAAGTCTAGCTAAAATAAT
AAGTATTATAGTTATTCTAACTGTGTTGCCTTTGAAGTCCAACCTGGCAAAATGAGTTAATG
AGTTTTTATTTTAATTAATTTGTTAAAACCTTGCTATTTTTACTATAGCTGTATTTAGCT
CTATTTTCTAACGCATTGGCAGCACTGCCCACAATTACAGCAGCGTGGCAGCCCCGTTGA
ACAGCACACGTGCATTTTTGTTTTAGTTTGCACGTTGAAAAATGAAGCTGGCTACGAAAA
AAATTAAGACCTGGGCAATCCAAGCCTGACCTAAGCAAAAAGAAGCCCGCCAAGGATG
>EP78372 (+) Dm CG1317; range -499 to 100.

CTGGCTGTTCTTTACTTTCTGTCAAAGTCCTCGGCGCTCTGGACTTTGAAGATCTCCTG
TCGCGGCGCAGAACTGACAGCATGCGAATTTGCTGGCCGCTAGCCAGGCGACGCGTCGT
CTGTCCCAGAATGTTAATAATCTGTGCTGCATGGCTTATTTTCTACAATTTCTCAGTGC

AAAAAGTTTCAGCGATTGATTGCAAAATAATGACAAGAGAATCAGAACAACAACATGAGT
GTGGTGGGGTTGCCAGATGGATTGGTATTGCCTAATGATGTGTGCACACACTGTTTCATT
AACTGTTACTTCCCGGTTCATGATAATTTTGTATATTATTTAAGTTAAAAACTTATAT
TTATTAACCATAACTATGTAATCTTTTTTAATTTCAATTTATGATTAATAAATGAATAA
CGATATTTCTGTTCTCTCAATCTATCGAACTAGTTGGCATCTCCGTTGAGAAAAATAATCAG
CAATTTTCATGGTGTGCACACATTGGCTCTCCTTTTTTGGAGAAGTAGTCTTGTGTTTTGTTT
TGTCGTAATAATATCCCACTTTTCGGTTAAATTTCAAGTGTACAATCGCATTACGGTC
>EP78373 (+) Dm CG10627; range -499 to 100.

CCCTTCCGTCGCGAAAATGAACTCTAACTAGCCGAAAAATATCTGTTGAAGGCTATAGTT
TATAATTTATAAAGTCCTGTGCCTTATTATAGTATTTGTTGTGTACATACCAACTAAGA
CCGTCCAAAAATGTACCTAGGAGATGTAAGCCGAATCTTTTACAACCGCTTATGTAAGT
ATACAAATAAAAAAATACTAGATAAAGGAGTTATTTTGCTTATTTGAATTAGTATCATTTG
AAGAATCCTAATATCTTGACCGCAATTGTAGCCGCCAAATTCAAATTGAATATGTGCGCT
AACATCGCTTTGAAACATAGATGTTATTGAAATTTACGCTGGTAAATATTGCATTTAACC
TAAAAACACTCTGTATTGTTTATAAAGCCAGTAAATGTTTGAAATTAAGAAAAATAGCG
TAGTTACAAGTTTCAGCGCAGTGTGACCGCTTGCCGCATAAGCAAGGGTGAACAGTGC
CGCGAAACGACGGTCACACCCGCCTGCACACATCTGTGGAATTGTTAAATTTGAAAAGTC
CGGAAAAACCGGACGGAACCTTTACCTCGCTCTGGACAGTGGCACCGCCCTCGAGTAT
>EP78374 (+) Dm PROS-26; range -499 to 100.

CATCGGTAAATAAGGTTTCTTTCTCGGGTTTGTACCTTTTACGAACTTTTACATATT
TCCGCAGGTAATGTTTTATGACGTCAAGGCGTTGGTGGAGAAGAATCGTGGGCAGTTG
CAAAGAGAACGTATTGAAACATGGCCGCTATAGCTTAAAAACAATATTTGCCCTTATTT
TATCCAAAGATTGTTGAAATAACCGAAATGTTTATTAATAATACATTTTAATCAAATC
TAGTTTGCCGTTTCGTTTATGGTATCTGAATGTATATTTTGGTCAAAAACGCGTAAGGA
GTGCAAGTTTATGGTACAAATTGGAATTAATTTTAGGTTTTATATTGTTATTTTATTTAT
ATGTTAAATTAATAATGTTTACTAAATAAATACCTCCTGCTAATAAAAAATATCCCAAACC
GACGTATGTATACCTATCGATAACGTTTAAAGCAGGCTGGATCCGATGCTCAACAACGGTC
ACATTGATTTTGTGATTTTGGTTAGCCGCTTGCAAACCTTGCAAATCATTTCTGTTGGTTTT
TTACTTGCGAGTTAATTGGTGAATTTACGACAAAAACATGAGCAGATTGGGCTTTGAGC
>EP78375 (+) Dm L(3)07882; range -499 to 100.

ATTAGTGATGAGCAGCGGTAAGTGTACATTTACGCGGATAAGGTTCCAAGGAATCCCC
GAAAACTAATATTTATCGATTTAACATTTTAGCTATTATAAATAGAATGTGATAACAATA
TAACATAAATTCAGTACCCATTTCAAAAAATGTACAACCTTGATTGCTTCGATTACAAAT
TTTCAAATTGAAGCATCGTTTCTTGGTCTACCTTAAATTTGTTGTGTTAAATGACTCA
GATCATACAGCGTATGTACCGGTGTTTCGTAATATACAATAGTTTTTCGAAGTAGATACC
AAAACAAAGATTTTAATTGTGTAATATTTAAATGCCCTTGATAGTTTACAATTACATTAA
CAAGGAAAAAATACATTGTTATACAGTAAATTATGATTAATTTGTAGTTACAGTTGAAAT
TGAAACTGATCCATTACCATTTGACGTGACTATTGCGAGGATTAGCCAACACTGATTTT
GGCATTTCTGATACGCGCTAGTCCGTTATTGGGTTGCACGTGTGAGGTGTTTTGTTTTGC
TAAATGAACCTCGGTTTAATTTATCCGTAGAACGCGATATAAAACAATGGTGGCCAAAGGA
>EP78376 (+) Dm CG5094; range -499 to 100.

GCTCTTCGCGTATTCTCGTTATCCGTTGCACAATTGCGGCGTAGACGGCTAAATGCGGTA
TATATCAGGCCCAATCGCTGCGGTGCTCGATGGAGTCGAAATTTTCAAGCAAGTGCAAAA
ACAAAATTTTGTCCGCAATCACGTGATTCTTGGCAATGTTTGTGACGGAATTTCAAGTGC
GACCGCAGGCAAACTTTTCGATAATGCGGAGAGGTGTGGAGAAAAGCGTTAAGAATGCGC
TTAGCTCGGACCCAAACCTCGCGTTGGTAATAATAATCGCGTTTCCACTACTAAGGGTAT
GATTTTATTTAAATGCTTGAAGCAACAGATTTATTTTATATAAAAAATATAATATAA
ATATAATTTAAGCTGAAACCAAAGTTTGTAAACAGCGTCAGCATTTCCCATACTATCAGA
ATGTTTCGATATATGTCTCAAAAGTTTATCGGGCCATGTAGCACATCGATACTCGATTTTAT
ATTCACATTTTCGCTAATCACATTTACTTTTCAACTTGTCTGTCGATCGAAATTAAGCGA
ACAGAAATCTAAAGCATAACCAAAATGCCGGACGAGTGCAGCAGAGTTTCGTGCGTAGC
>EP78377 (+) Dm CG32486; range -499 to 100.

ATCCACGTTTTCCGTACCTCCACTGACCAGTCATAGTTCACTTTGCGAGAGGTGACTTCA
TAAAGAACCTGCCGTTTGTGTTTTGTCAAACCTTTGTACATTTTAAAGACAAATCACAA
TATTTAATTTCTTACATGTTTTCCGTTTGGCGCAAGCAGTGTGACCGCATCTCGCGAGTG
ACGAGTTCCGTACTGCCGATATAAGGGCAGCACATTAACACGAATGGATTCGTTTTCA
ATAATATACTTGTAATTAATATATATGAAGGCAGATTTTGCTATATTATTTAATGCTA
TTTTATTTTGAATGGTTAATTAATAATATTTGTTATTTTATTACTTTGTAAAGGGGAT
GGTGTCCCTGCTAACGATCAACCAGGGCTGGAGAAACACAGACAATAGAAAAACATCGAT
AGGCTTTGCCAATAACATCGATACGTTATACTAGTATTTTGCTAATATAAGATTTGGTC
ACACCGCACAACTCTCTAGAAAGACAACAAATTTTTTGGCGAGCGGACGTGTGCGCGG
ACAAAAAGCTTGCAACAGAACAGAACGGAAGAACACAGAAGAGAACGACACGACACGGA
>EP78378 (+) Dm EG 87B1; range -499 to 100.

TAATAGATTCTATTTTTTTGTTTGTGTGAATTTTCATAACCTTATAATACAGAAATGG
CATTAGAAGTGAATTTTGTAACTTGTGAAGTTAAAAAGGACCATCATATTTGGCACGAA

ACCAATGGGCAAACTTACTTATAAAATAGTCCGAAAAAATAGTATATACCAGTTTTTAC
AGTACCACATTATAGGTACTCGGAGGTAATAATAGAAAAAACAATCTTTGCATTTACT
GTTACACTACGAAGCACTATATTTAGTAGCAGTACTCATTAGAGTCCACTCACAAAATTA
GCACCAACCGGCAGTAATTGGTCAAGGATCGGCGATAGCTTCAAACCTCGAAGTTCAAAG
TCAAACCTGCCGCCCTGCGAAAGCTTCGCGAGTGGAGCTTTTCTGCACTTATCGATAGCTA
ACATTGTGGCGCGACTATCGATCGACGAGCTGCCGCTTAACAGTGCCATATATAGATTGT
AACATTAGAAGCTCAAATCATTGTTGGAGCACAAACCACAAAGAACACACGAAACATGAG
CGGGTGAGTAGAGGAAATTTCTTTTCCCGGAGTTTTCCGCGATCCTAACGTCGCCCA
>EP78379 (+) Dm BCDNA GH03922; range -499 to 100.

CTTATTTTTTAAATGCACTCCGATTTCTTCTGTACAGACATATCTGTGATATTTTTAAAG
AATGCTCGCGTAAACGCTAAGAACCAACGCAATCAAGGGGTGCTAATTGAACTTGCTTCG
TGCTAGTTTACCCTTAACTAAATAACCGATGGTTAACAGACTGCCAAAAATATGACCTT
ATAACACATAAAGTTCTATTAATAAATTTTTGTTGTAATATTTATGAAAATATATAGT
ATTTTCTTCTGAAGTATTGGTTCATTGTACATATTTTTTGAATTATTTCCATGTGCT
AGCTAAATTGGGTCTTTTTAAATAATTTAAAGTTTTTCAAATATTCATTTAATATTTCT
GGTCAATGGAATTAATAACATATTCGAAAGACCGTTACAAGAAATATAAAATTTCTGTTA
ATTAACATTGACATTTAGAGAGCTTCTGACATTTAGGCAGTTGCCTGAAACGGTCACA
CTGTGCTCAGAGAAGAAGAAATGGGTTTGTGAGGAAATCGAGATTAATTAATTTAAGTGT
CAAAAATTCACTTCACTGTTTACCAATATGACCGAGGACTGGCAGAGTCAAAAGTTTCGT
>EP78380 (+) Dm SIR2; range -499 to 100.

TTGCAACGAGAATTTTACACAGGTCTGTGTGCCGCGCCAGGTTATTGCCAGCATTATGCCG
CATTTGCCACCGGCTGGCGGGCGACACCGACGACTCCGTGCTGTGGGACTATTTGGCC
CACCTGTTGAACGAGCCGAAGCGGCGCAACAAGCTGGCCTCAGTGAACACCTTCGACGAT
GTCATCAGTTTGGTCAAGAAATCACAGAAGATCATTGTGCTAACGGGAGCCGGAGTATCC
GTCTCCTGCGGCATTCCGGACTTCCGGTCCACCAATGGCATATATGCGCGATTGGCCCAT
GATTTTCCCGATCTGCCCGATCCGACAGGCATGTTTGATATCAACTACTTCAAGAGGGAT
CCACGACCGTTCTACAAGTTTGCCCGCGAGATATATCCCGGCGAGTTTCAGCCCTCACCC
TGCCATCGTTTCATCAAAATGCTGGAGACCAAGGGCAAACCTGTTGCGCAACTACACACAG
AACATCGACACCCTCGAGCGGGTGGCAGGCATTACGCGAGTAATCGAGTGTACGGCTCC
TTTTCAACGGCTCTGTGCACCAAGTGTCTTTCAAGTGAACGCTGACGCCCTGCGGGCG
>EP78381 (+) Dm BG DS00797; range -499 to 100.

TATTTATTTTGTGGGAATCAAATTTGTACAGCCTTTTAACTTTTAAAGTCCCCTAAAG
TTTCCCTGTTTCCCGGCTATTTTACTAAGCTTTAGTTTCTTGAATGGAGTACATGCTTT
ATGTTAAAAAAGCTTTTAAAGCTTATAGATTTACGTCAATTATAAGATAAGTAGACTATA
TTTATTAATACTTTATTTAGGAAAATATAGTATACAGTATTTAATTTTCTTTAAATTTGT
ATTCTGTTAACACTCTCCAGAGTCCAAGCCCTCATATGAAATATAGACTTCGAGAAGAAT
TAATTTGCTTCAAGGTGTTTAAATTTATATAAAATGCAATTTTATTTCAATTTCTTAAGTAA
AATAATATCGTATTTAAATTTATTATTGTCTTGTTCGGTACTTAAATATTCGCGGTTT
CTCTCAAAACAATCGGTATTGCCTCTTATCGATAGTCGATAATTGGTATGACCATACCTA
AGGCCACGACTTACCCAGCACCGAACTCGGAAGATTTGAAGAAGAAGATTGCCAGCAG
GGAGACGCAGAACTACATTATATACAAAATATATAGTTTCTAGCGGAATTTCTGCCA
>EP78382 (+) Dm CG15141; range -499 to 100.

CGCCATAACAAACATAAAAACGGGTTAAAGGTGGTCAATTCGGAGTAGTCTGTTTTCTTTA
CTCACTTTTTCTCGCTTCATAGAGCAGAAATGACTCAAAGGTAGGTGGTGCCTTCATTT
TGATGTCTTACTTTTCGTTAGTTACTGCAAACTTATAAATTTGTTTATTTAAATCAGCAG
CACGCTCAGCAAAATCTCCGGTACAGTGTGACTAACGCCCAAGTGAACACAAGCTAA
AGTAGCTATATCTAGCAAAAAGTAGCTAGAACGCCTAGCTAATTTATTTTAGTATTTTAT
AAATCATTTTTAATGTGAGCATCTATTAATAAAATAAACTTGTACTTTGAATTTGAAA
ATAATTTAATTTGCTTATGTTTTTGGTCATTAAATAAATAGCTTAATCACTTCTTGCAA
CCAACACTGGCAGCCGATCTTATCGCATAGACAAGCTGTTGTGGGCCATCCCTAGGTTT
CGGTGTTTGAATTTATTTGCAATTTTATCCAATCGCGCCAAACGCTGCGCATTCCGCCA
CTTTGAGAACTGACACGAAGCCAAGCTAAAAATACATTATTAACAGCTGACATGAGC
>EP78383 (+) Dm ACTR66B; range -499 to 100.

GCTGCACTTCGTGCTTTGGCGGTACCTTGTGCCACTGTGCACCCGCTGTTCTTGCCCTT
TATATAGACCTTGTTTTATGTAGCCGAACAGTGGCTCCAATGTGTGGGCCAAATTGCA
AATCTCTTTTTCCGGAGGAAAAACGTGGAAAAGACTCCACACACGCACACACACCGC
CGAAATTCGCGAGACGAACGAAGCTTAGAAGAAGAAGAAACAGCGCCTGTGTGTGTTGAC
TAACGCCGAGTGTATGGGGCCTACAGGGCTGCATTATGTTCCCGGTAACAGTTTAGC
CAAAAATTCGAGCAATATTGAAAAGCCTTCGCTGCGGAAAATCTAGGCACCATTTATATA
TAGACCACTTGCTTCATAAGGTAACTATATTTAAAGGCTTAAAAAACAGCGACTTTTAC
AATTTCCGATAAATTGCCATTCAAGTTGCATGGCCAATCGATTGTTGCAGCCCTGGCAGC
TGCTCGTACGTGAACACGCGAATGTGTGTGTGACGAAGAGCAAAGTGACACATAGTTGGA
GGTGTGGTTGAAAATATATAGAAATCTGGGTTTATCTGCAACTGAAACGAAGGGAATTT
>EP78384 (+) Dm CG31233; range -499 to 100.

ACAGGCGTGTATATTTGCTATCATATCAGCACATATGATAAGTACACGAGAACTTCAGT

TTCAATTATTATTGTTCAAGATCTTGTTCGTATAGAAATTATTGCTGTTTTTCATAATTA
GATAATATGCTGTCATTCTTTTCATTAATTATAGTAATAGTGTTAAATAATTTTTAGAG
GTGAGAGAAACAATTCTTTTATAATCAGCTAAACAATCAGATCAAGGTCAGTGCACCTGA
GATTTTTATCAGGGCGTCTATCTTGAAATGCCACACTTATTGACATTATCTTAGACGT
GATTGTTACTAACCTGCAGAAAATACAAATTCATCAAAGGCTAGTACCATACTTGATTT
ACTACCCAATGGAGTTTATACCACAGTTCTTGCTGGTAACGGTCATTCTGGGTAACAAG
ATTGGGGTAATCTTTATGTCTGCTCCCAGATAAGATGGACTGCCTCGCTTAAAGTGGCT
CCCCGAACCTTTGGCAGTTTAGTCTTTCCGCGTTTTTCGCCATGAGTTGCGTTCAGGTCGG
GGGCATGTCAGTATTCTTGGTCTTTTGTGCGCCATTTCCGCCACCCAGGCGGCTGTGGT
>EP78385 (+) Dm SMG6; range -499 to 100.

AGTATAATAAACGAAGTCATGTACGTAACAAAATTAACCCAACAAAACATGCAAACATA
AAGCGAACTCATACTCAAACGCACTTTTCTGATTCGATGAGCTATTTTTTTTAGT
TTGAAATTAATTTAAATAGAAGGCTAAATGAGAGGCAGAAACAATGGATCTTGTTTTG
TGATCTGTGGCGAATGAAATGGGTAAGTAATGTTCTGAGGTCAAAATGAAAATTAAGAA
TCTCCATGCTTAAATGTACCTTTAGAATTCATTTTACTACTGGCAAATTGTTATTTTGT
CGCTAAAATAGAAGTGCAGATAGTTTATCTCTATATATTTTCAAAAATCAAGCATTCCGG
TCAAAAAGAAATCAATTCTAAAGCAAACGTTGAAAATCATTGGCATTCAAATCTGGCGCC
TAAAAAATGCGTATGTGAGCAGTCCAAACAGCATTGTTAGCGGTCTGGTCACACTCATCC
GCCTTGCCACCGGTACACTGCTGATCTAAAGATTTTTCGAGGCGTAATTTACACTCTA
CACATTTGACAACTTCCAAGAAAGGAATAAATGCAACAGCAAAAGCATCGTTTAAATA
>EP78386 (+) Dm TSP96F; range -499 to 100.

ATAGCCAAAGTAAATCAAAAACCTGGAATATCCTAATTTTCAATTACCCACTTTTCATAGT
AATAATTAATAGACATGTTAAATAATGTAACAACCCACAAATTTTACTTTAAATGA
AATCTACTTTAAATATGGTGATTATAGCTGAAACATTGGGGATAATAGTTAGTTAGAATA
TCTAAATTTTTAATTTTTAACTTTTCATAATAACAATCAAAAGGTTATTTGAACATTATGT
AAACACTGAAACTAAATTACTTTTAAACATTCAAGTGAAGTTTTTATTTTATTGGGAAAT
TGGCAATAGAACTTATCCAAAATATCGATAGGCCACTTTGGTTTGCATAGGCTGCAAA
TCCAAGCAGGTTGCAAGCCATGCTAAGCCTCATCAAAGTTATTCAACCACTTCTTTGGTA
TCTTCTAAGGTCACCACTTTTCGGTTTTTAGCCTTTCTATACCCGCTGGTATATTTGAA
CGGCCGAGCTAATGGTCGCACTGATACAAGAATTTTACGTTGGACGGACGCTCGATGCA
CAAATAAAATTTTTAAACAAATCGGGTGAACGGCCAATCGCGCAACAGTGGCTCAAA
>EP78387 (+) Dm EG 103B4; range -499 to 100.

AAGCTGCCTAAAAATAGCCCGAATTTTGGCCAAAACAATGAACACAATGCTCAAGTTCTT
TCCTTCGGGGAAAATGTTATTTTGGATTTTCGTAAATGGGAACCTTGGCGCGAGTGTGTGT
GCTTTCAGTGTGCGTGTGCTTGGAAAAAATCATATTTGACTGTTGTGCTGTTGTCCCC
TTGCCCCCATTTCCCGTTCCTCACCTCCCGCCCCCTTTCGTCAATCGCCTTCCCCCGT
TCCCTGGTGATGCCTCTAATTTGTGTTTTTTAGTTGTGTCTAATGCTCTCCGAGGGCG
TCGGTGTGTCCACGTCATAAGCGTCGCTGCTTTGCTGGGTTGCTTCCACTGTGCGCAGTC
AGTTGTTGCTGTTGTTGCTGATGTGCTGGGTGGTGTGCTGCTGCTGCTGCCGTGCTCA
TGTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCCACTATATCGTTGCTATTCCCGCGTAGTCCGCCAG
CTGCGCGGAGACATCTTCACTCGCCGAGTTGCCGCGCTGCGGTTGGTTCGCCGAGTTC
CGACCGACCTCCACCGCAGTCGCCATGTCTACTGCTGCCAGTGCCCGCTCTCGCCC
>EP78388 (+) Dm CG1578; range -499 to 100.

GACACTTAGTATTATTAATTGTTATTATTTTGGTTGCTGCGCTGTTTCTCTCTGTTTT
TTGTCTCGCTCTTTTGGTTTCTGGGTGCTATGCCAGTGTGACCGTGACGCTGTAATATGA
AATACCAAATTTTATATTACAGCATTCTGAGTGTGACAGACTTTATATACGAGTGTATG
TCCTTGTAACGGATAAATCTAGTTGCAGTCTATTTATTTAAATATTAGCAAAGCAGCTT
AATATGAATAGTAAACGGCTTTTAAATATTAAACACAACACCATATGCTCTGAAAAAA
CGTATAGTTTACCACCGAATTATTCAGTAATAAAAGTAATTATTTAATTAGTATTTTT
TTTTTCAATTTCAAATTTGAGCTTTTGTAGCATTATTTAGTATCTAATTGCCCTAGGCCG
GAACCGATTATTGAATTCAGACCACCGCCATTTGGCAACACTGGCGCTGCATTAGCGGCA
AAAAAGATTAATTTGGCCATTTACGTTGGCGTAAAGTTCTGTGCAACAACAATTATAAAG
CTCGACCAGCTGGGTTGGTAAGCGTTCATGATCGCTCCCGTTCCGCGCAGCATTACTCTA
>EP78389 (+) Dm CG1796; range -499 to 100.

AGCGGAGCTGCGGCCAGCACCTCGTACCATCGGTGTCTCCACGTCCTCATCTCTTGCA
TCTGGATCGCCGTTCCCGCAAATAATAAAGCAGAAAAAAACACAAACAAAACAAA
ACAAAAAACAGAAATGTGCTTCAAAAAAGAACACGATTGGTTTTTAAATCTCTCGGG
TGGGCGCATAAAGTTAACACTTTGATGGGTATTGAAAAACGATTCTGAAAAACTATCA
GTTTTTGTGGCTTTTATGGTACTTTGAATTCAGGACCCACAATTTCTCATCTCGACTTAA
GGTTGTGAAAAGTTAAATCATTTTTTCTAATTATTAGATAATTCAATTACACAATTTCA
ATTAGATATTAGATATTTGCATTTAAATACATTTAAATTTTAAATAAACTTCTTTTAA
AATGGATGCCCATGTAGCATTAAATTTGGCTATAAACAAGCTAGCAGACATCACTGTCC
GATAACCGATAGCCGATTGTTATGTATGGCTTGTGGTGGTCAGCTGCAAGAGCCGCGCC
GCGTTTTTAAACAAATTTAGCGAATAAGCAATAAATAACAGACAATGGCCATGGAAGACGT
>EP78390 (+) Dm ATU; range -499 to 100.

TTGTTTTCTCAGTTCATTGAAATTTACCCGAAGCAGCGAATTGGGCAAATTCCTTGCTA
GATTTGCGCGTCTTTACGCCGCCGACCCGCAAATGCACCTGAACCTAATGGAGCCGGGT
CCTTACGATCCACTATCGAGGGGCGAGTAAACAATTCTTTAGCGCCGAAATGGCTTTAAA
TTGTACACAAAAAATGTTCCGCAAAAACTTTGTGGCTGTACGAATACAAACACACAAG
AATTAGGGATGTAAAAATCTGCTATCGAGACAGCGTTGGTATCGATAGTAGTTAGTTTGC
AACGAGAGGGTTTGGTGCATTGATTACTGTATATTTCAAAGAATATTCGAATTGTTTTCT
TAAAGACAACAATTTTATTCGCCTTTGCGATTGGTAAAATAGTTGTTTACTTTTAAATCG
ATAGACAAAAACAGTTATTGGGCTGCCATCTGGGGCGTCTATGCGAAGACCTCTTTCGCT
ATTTAGTTATCGATTACTGTGACAGTGCCTAGACCTCCTAACTCAACTTTATTGCCCG
GCCGCGAATTGTCTTGATTGCAGATTTTCCGATTTTAAACAAAATTTACTTGGCATTATG
>EP78391 (+) Dm CG9796; range -499 to 100.

AAATACGTTTAAAGAGATTAATAATATTCTTTACGAAAACATATTTTACTTAATGAAC
ATGGTATATGGAAAACCTGTAAGTGCGAACCATATATTGCAAATCCATGCTTTGGCTATC
TATTTCCAATAAATCAATTTTTTAAAATTCTCTTAATTACAATGCGAAAAGAGAAAAAA
TATACTGTTTCAAACTTTAATTTTCTTCTGCAAAATACTGGAAGGAGTTATAATTGC
GAAGCTGAATGTTGTGATACTCAAAAGATCCAATATAAACCGATTAATAGCCATTTGAAG
TTAATTTGTGTAATTTTTTTTAAATGGCGGACAATAGTTTGAAAAATAGAAATAAATTC
AAGAAGATAAATACATAGTTGATGATAAAAAAGATAGTACATTTATTTACTCATGGTTGGG
CAGTCTGGAATCGGCTTTCTAATGGCCGACTGGAACGGAACGGCGGTTTAAGCGTCAA
GCTCTCTACAACAATCAACAGTTCGCGCTCAGCCACCGAACCCTAACAACACGACCGCC
GTTCTGTACGTGCTGGCTATATAACTGCATTTATAAGAAATTCGAAGAACGAGAAGCCT
>EP78392 (+) Dm CG3308; range -499 to 100.

AAAAAATGAACAAGCTTTGTGTGGGCCAACTCAAATAAATAAACAATCGCACTTGAATA
CAATGAATCGTTTTAGTTAAATAATCTTGAGGTGTTTGGAAGAATATAATGAAAACAT
TATTCTCATTTGTTGCTTTGTTAAACAAAACCTGAAGGTGGGGTCGGTCAAGTGTGTGG
GCTTGGGTTTTAAATCCCCAAAAACAATGACTGTTGCCGAAACAAAAAATTCGACTCAGT
TATATTTAGTTGCGACTTCTGGTATGGTATTGTGAAATATTTAATTATTTGTCTTAAGAT
GTTACTATTGATGATCGGAATTCTACTATATACATGAAACAAATATATTTATATCAAATA
ATTGGACTGAATTTTATTACATAATATTTATTTTGATAACAATTTAAATTCAAACACGAT
ATAATTTGGTGCTACGATCGATTCCGACTATCGATTGCATGCAGAGTGTAGTACCTGCA
CTGACCCGTTCTGCAGACGTTGTTCAACTCTAGCCAGCAGTTGTAGTTCGTGTCGGGATT
GTTTTTTAGATTAATATTTCTCAACTTTTAGACCATTGATTGCCGAATTGGTCAACTCTT
>EP78393 (+) Dm CG6420; range -499 to 100.

GTGCAATGTTGTTTATTTTGTGGTTGCTCATTGATAAACCAAAAAAATGAATACTGGA
AAAGTTCAAAAAAGGAAAAAGGAATCATAAAATGGACTTACAAAATAACCAAAGTTAGGTT
ATATACTAAAACTTTAACATTAAGTTAGAATTTTATTTTTCATATTTTTCATAAA
AAAAAATGGAATTTATGAATATCATGAAATTCAAATTACGCGCCAAGCGTTTTAATGCTG
CCCATTATTAATAAATATTGGCATCATTGATTGCAAACTATTTTGGACAGTCTGGCTGCCT
TCACTGGAATATTTTGTTCATGATAATGCTCGTAAATATTTTATACATAAGATGCTA
AATCTTTAAGTGCACTTGTCTTAAGAAAGTAATAACAAAAGCAATTTATATATTTTCGCC
TTAAATCGTTAAGAGTGACCACTCTTTGGAGCGTTGTAAATCCAGCTCTTCGAACATCGA
ACAGTATCGACGGAAGTATCGACGTTTTCTCACATCGCTAAGCCCAATCAGAAATTAGA
AATAAATTAAGTAATTTGTGCGGAATAAAAGCAAGCGTGCGGCCGATGCGATAACCGCGA
>EP78394 (+) Dm SELT; range -499 to 100.

GGATAATGAATTTGCGTCCCAGAGCCAGTTTTTCGTCCAAGTGACGAGGAATTGTTTCA
TAGCAGGATCACTGCGGGGATTGGGTGGAATATAGCGAAACCAACGCATACCAAACGTAT
ACCACTTACCACTCCACCAGCACTCCTTTCATAACATTTACCATGTTGCCAGCATTTGTT
TGCCGAAATTAATAAACAATCTCACCAATTCTCAGAGCTGAATGACATATTCACAGTGAA
ACGTAGGCTAGAGGTGGCAGTCTTTACTATCGATATTTTGTGACTTTACTTGATAATTT
AATCAATAATTTTCAGCATGGCAATATAATATTTACAATCAACGAAATATAACACATTGCT
TTAAACCAGCACCCGATATTAACATATTTATGTTAGTTTACCCTCGGAAGTTTCGTACT
TTAAGAAATATAGCTATTTTGCCAGCCCTATCAGTGCTACTCACTACGAAAAGTAGACAG
AAGTAGCGGGGTATTTGCCAGTCACACGGACAAACACCAAGGCAAAAGTGTGAGGAAATA
TTGAATTCCAAATTAATTCCTAATTAATCAGACCATAAGCACGCAATGGAAAGGCTGA
>EP78395 (+) Dm SMI35A; range -499 to 100.

ATTACTCAGCCAGCAGTAATGGCAATTTCTTGGCGGTAACCAGCTAGAAGGCTAATAATA
ATTACTAGATCAAGTGCATTTATTAATAGCTTTTACAAGGAAAACATAAACATATTTAAT
ACAAAATATTTTGAATAAATAACATTCATATTACTGTACTAAGATTTTATTGTATTAT
TTGTAAATGCATATATTTACATCTATGTATATATAAATATTTTATATATTTGTATGGAC
AAAAAACAAAATATGAAACATAATGACAGATAACTAAAAAGAAAAACCCAGAGTACGTA
TTTAAAGTATACAGCATATTTACAAACCAACATAGGTTCAGTTTCACGCAATTCCTGGT
TCTTAAGCTTTTGTCTGTGCATTTCTCCGCCGAAACGGGTTTTTTCGCCGCAACGACGC
ATCTCTGACGCTCGGGTGCCTTTGCTTTCTGGTTTTGCTTTGCAGCTGCTCCACTCGGT
TTTCGTTTTCTGTCTTGCCATTGCGTTCAAATTATCGCGCTTGTGCGGTTGTGCGGAGCG
GACGAGTTGGAATAACCAGCGAGGTTCAATATTTTCTGTACGGGCGCATTGTTTGAGGCT

>EP78396 (+) Dm EG 34F3; range -499 to 100.

AATAAATATTTATTTATATTTAAATATTTGAAATAATATATTCGCAACTCGATTGCCAAT
ATAAAAAATAAAAAACCAAAGACCAATTGGTCGGATTGGGACTCAAAACAGCTATAGAA
CAATGCATCTGGGCGCCAGGTTTCATGGGTGAATCGAAGTATTGTACTTCTATTGAACTTC
TGGGGATCCTTAATCCGCATCCTGTGTACAACACACGCATACAAAAGCAAACCTCCACAT
TACAGCAGAGCGCAAGCTGTCAAAGCTGTAGACCTGGGAAAATAGCTTTGCGGGAAAGCC
CGGAAACTCGAAAGCGCCATTTTCAGGGGCATGCTGGCTTGAAAACGAGTTGAAAGCGTA
TTTCCATATCTGTCATTTAAAGAAACGAAGAAACGAATGGTATAATGGACTTCCGTTAAT
GTGACCGTTGGCGGTGCGTACTCTGAGATACTCTGCGGTATTGCGTATGCCTCGACCAT
TCGGTATATTTACACGGACATACCGGTGACGTGGTTACATTGCAACAAACATCCACAGAA
ACCTCCAATCCACTCCAATCCAGACACCCGCCCGCGGACGTTGCAACACAGTTTTC

>EP78397 (+) Dm CG2079; range -499 to 100.

TGTTACCAGATGGGTGAAACAATGCTATTTGATAATAGTGATGGCACTTGGCATTGCAAG
ATGGCAACGCTGAAATATCGCACGCCACTTTGCTGCCAGACTGTTTGATTATTTTTATT
CATAGCTATTTTTTAAACACACGCGATTAAAATATTTGCTCACAGAAAATATTTTCACC
ATAAATTTGTAACCTAATATTTACATAGATATATATATATATATATTTGCATTCAAAAT
AATATAAAATATCAAAAATAATATAACAAGTTTTTCGTATTGATCGAAATGTTGATAA
CTCCAACAACGCAATTATGAGAAATTAATAATTGCGCGCTAGGAGAGGAAACATACCAAG
ATTATAAAAATATGATATTAATTTATTATTTTAGACCTAAGAAATAATTCAACCGCTTTG
TTACCAAAAAACCATAAGTTATCGATCGCCATTAGTTATCGATGACGATTGCAGCAGCTG
CATGCAACCGTGCAGCGCATAAATAAATAAAGTCGACTTGCCTCTGTGCTCGCTTTTTGG
TGATTTTTTTTTGTGCTGCGGCTGCGCTTTTCGAAATTCGAATCTCCGTATTGCTGTGC
>EP78398 (+) Dm CG2961; range -499 to 100.

TTTGGGCAGTTTGAGAAATAGATGAACACGATTGCCGCCAACAGGGTGCTTTTTTATTGC
ATCTCATATTGAGCCATTAATAACTGGGCTTAAATATAAGAATTCCTACAAAATTATATG
ACTAAATACCAATTTCAATTACATTTATTTCCATTTTACTTGTTGTCTACGTAAGAAGA
CTCAAAACTAGTTGCAAAATTAATAAAAAAAGTTCCAAACATCAATGGACTAACATTCAA
TGAACAAATTGTTTTATTAATAATCTACGAAAGATCATAAATTTCCCTTATCTCACAGCA
AGCACCTGTGCCGCCCTTTGGAGACCTCAGGTGAATTCGAGAGCAACATGGTTTTTCG
ATGGACTTATGACTGGTGGATGACTCCACATCGACGGCTCTCCGTGCTGACGTCACGGG
CCATCGCCGCATCTAACGGTTTGTGGTGAATCTCCGGTGGAACCTCTTGATAAAAAACGTT
GGATCTGCTAGAGATCGTCATCATTCACTAGCCGGGAACAGCTCGACGCACAGGTGTCGC
CTTCGATTCCACCTATTTTTTCCAAATTCGAAACAGAGATAGCTCAACGCTGAAATGAA
>EP78399 (+) Dm CG12505; range -499 to 100.

TGAAGTGCCTCGGCATGGAGCTCCATTTTCTCGAATCTTATGTTTTGACATTGCGAGTC
TGAAATGGATGTTGCTGATCTCCAGCGCCCCGCACAACCGTTGATTCTACAACCGCC
GGCTCCACTTTGTGCCGTCAGCGGAGAAAAAGCGATTATTTGGCTATCAAAAGATATGA
TCACTGTGTTGAGAGACATGGCAATCATCGCTATTGTAACCATATATTTGCTGATTTTTT
GTCTGATCCTGGTCTTTGTGAAGCTAGCAAAAAACCCCCGCCGGTGAATGCCACTT
AGATCCTTTTGCAGGAGGATTTGCAGCGCCCTGAAGGTGGGCGCCACCCGTTTCGTGATG
ATTCACTCTGAGCAATAATACCAAAAACATAGACCTTCCCTCTCTTATTGGCTCTCCCA
ATGCCTCAAGCTTTTTTCGAAGTTCGATTTACAACAGGCGGATATAAAAGGGCTGCAATG
TGGGAGAGCTGTTCAAGTTCAAATCACCGGCCGATTCGCTACACTGGCTTTGTCCGCCGA
CTGAACCAAGATTAATTTGATCACCTAACCTCACACAGCAGCGAAAATGGCCAGCTTAC
>EP78400 (+) Dm BCDNA RH33060; range -499 to 100.

AACTTTCCTATACATATGTAAGTAAATATTTCCATCATAAGCAATTTAATTATGCAAA
GGGAGTTGACCATATAAATTTGAGATAACTTCAAATTTGGCAATGTGTAATCATACTT
CCGCTTCGGATTGAGAAATTATGTTAACTTTCTCAGCACATCTGACATGCGAGTGGAA
CCTTGATTTCTGGGAGCAGAAGACGTCATGTCGCGGCTGATTTGAATCTCGCGAGTCAAC
TGCTGAATGCCAATCGCATCGATCTCGAATTAATGTGGCTCGCACTCATGGGGAGGAAAA
CCCTGCTTCAGGGGTAATTGTGAATTCAACTTACAATCGGGGAATTCTCCGACAGAACG
CGTGGAATGCCGCCGCTGCCGTAGAAGATTTCTGTTCAATTTGAATAAAAGCTCGCCGAG
ATTGGGCCACCAAGTTGCATGCCAATGAGCGCAAGTCAGCACCATTGAGCATAAATAGATG
CCATCTTTGATGGGAGGCACACTCACCATGGATCTTCTCAAGAGGCACCTGCTGCTCCT
GGTCATCGGAGCTTGCTGTGTGCTGCGCCAGGCCACGATCACCATCCAGAAAACCAA
>EP78401 (+) Dm CG8507; range -499 to 100.

CCAGGCGGGATCCGGACTCAGCCAGGACTCATCGTTGCCGCTCTGACAGCATACCCTGTG
CAATACCAACAGGAAACAACCTGACCGCTGCCTCCGTTCTATTGCTCGTGGTTTCTCAATG
TAATCACTCCTAGGTAGTAAGCACTCGATAATAATTATAATTGAGCGCAATTTCTGTTGTA
AGGCGGCTGATGCAAAATGGCAGTGTGACCAAGTCCAGTTAGCAACATCACAGCGTCACG
TCAGTGCTGCAATATCTACTTATCACTTCAAGGAAATGTAGCTTTATATTTATTAGACAA
ACATGCTTTTATGATTTTTCTTCACTTCTACTGCAAAATGAATTATTTTTATTAAACATC
TTTATCAAATAAATCAAACAAATTTGTTGTAATTTGACCAAGATCAAAAATCGTAACTGCG
AAAAACAAAGCATTAAAATAAAATAAAAGCTAGACTGTCAGCACCAAGCTTTATGCGAT
CGCTAGATGGCCACACTGCGTGTGTGAATAACTGTTTAGCCAGGTGAGCACTGCACCAA

TAATTGCAAGCTTTAAACCGAAATAAAAAACCACGAGGAAAATGGTTAGGTCAGCTCTCG
>EP78402 (+) Dm CG7212; range -499 to 100.

GGGCTTGAATACCGACAGATGGGCGTCGTTAATCGCTCCACTTTGGACTGCCAAGACGT
GGAGAGGCAGGTCGCTCAATTCTGCGACAACGTCCTTATTGAGGTGTATATCGATGAGGA
TAGCAGGGATTTTCATCGCCGACCGGTGTTCCAAATTGCGATACTGTTTCTGGCAACTTAA
ATTCGATTTTATATAGGACTTTTTGGGCTTTCCAAATTCAGTGTAACTTGTAAAGATAC
TCCTCAATTGCAGAGAGTATTTACTAAATAGAAATAGTAAATTTTATGAAGGTACGAA
TGAATAAATGTTGTATAAATGAATTTTTCTGCATATATCGAGCATATAGGCCACAAG
CAATTTTATACTATATTACATATTTATTTATTATTAATACGTACATTTCAACACTTTTTA
TAAAAAATACAGGAGGAAAAAAGCGCGGCAAAGTCGAAAAATGGAGTGACCGCACACTCG
GCCCGTCCGCGAATTGGTGACTTCGCGCGTTGGTCACTCGCGAATCCAGTGCCACAG
GCAGAAGCAAAGAAAACCACCCGAGGATTAGCGGACAGGAGACTGCCTCTCGGCAGC
>EP78403 (+) Dm ESTS 39C10S; range -499 to 100.

ACTTACACATTTTCGCTTGACGCTTGTCTACTCGCCTGCGAACTCAGTCGCTCGCTTGTTA
TTGTCAATTCAGCGAAAAGTGCATGGCAACCCACGCTGGCTTGGGGGCGGGGCACACACA
CGATGAAGTGGGGGGTACTGGGAAGCACTTTGTTTTCGTGCGTTGCACATATGTACAT
ATGTATGTATGTACGTACGTATTAATTATATACGTTAGCCGACTTGTGTTGATCGAATT
CGCCGTACCGCGCTGCCTTGTCTGGCTTTATGGACTCCACAGGAGCGCAGCCCAAAA
TGGGGGGCTTGAGTGAACACCCTCCCGTGGAGAATCCGTCCCTGGAGCAACCGAGTT
CGTTGTCCAGTCGGGCGAATTGAGTCTGGTTTTCCGCACGCGTTTTGTTTACTGTCCGG
TGACTTGTGCTGTTCTCTGTGCCGCTTCGTCTGTTTATCAGCGATTGCGAATACTC
GCACGGACTGCTCAACACTTTAGTCAATATTTAGCCGCTTCCCGAGAGGTTCATAGATC
GCAGACGCACTACATAGTATCAGCATGGTTATCAACTTCGCCGCGGTCCAGCCAAGTTG
>EP78404 (+) Dm BCDNA GH02901; range -499 to 100.

TTTTGACAGATCGTTTCCCTTTACAATTTACAGTTGCAGTCTGCTGAGAGTAAGAGCGGA
TAAGTGAGAGAGTGCAATCCGAAGAAGGCCAAAAAGAGCAAAGCTGCATATACACTGAG
GAAATTGCATATATCAACCAAGGTACGCTCACATATGTCGATTGTAGAAATTAACATTC
CGGTTGGCTTACAGTTTAAAAATATTTATTTATGTTTCTAGAGAGCTTTCGATCAA
TCTAAGTGATTAAATTTTTTTGTTTAAATGATGACCCACGATCATTGAATTTGTACATC
TTATTAATAAATTGCTAGATCATAGATCAGTAATTAAATCCGCAATCAAAATTAGTTTTA
TTTATCATTTATTTTTCAGTGTATGCACGAAAGAGAGAGCAATATCGCGCACCGCCAACGC
GATCGTGTGTTTTGTTGGCGTTGCTTTGTTGTGAGCAGCAGCAGCGGTATTACTTCTCTC
AGCGCCGCGACGGCGTCGCCAGTGTGTCTCAACACTCGACAGCAGCAGCGTGTGTCAGC
AGCAGTAACACTTGATTGATCGCATCTCGAAGAGCCAGCTCCATAAGGAATACCCAAACT
>EP78405 (+) Dm CG8426; range -499 to 100.

CAATCGTACCTTTTGCCGACACGCTCTATTTTAACGATCACGTACGGCAAATTTTAGATAA
TGGTCTATTTGGAGAACCAAGCGCTCTTGCAAGTTGGTATTAATGCACTAAAACAATTAAA
TTAAGAAGATATCAAGACATATTTATATATAAGTGTCTTTTACACTGATGATTGTTAAA
GTTTGTGTTAAGACGAAAAACATAAAGCAAAAAGTTGGTGAAAATAATTTGTTAGGAAA
CTTTAATGCCTTTATTTGCTAATAAATAATATATGTAGTATAAAATATATATATATAA
ATATAATTATAAATATTATTTAATAAAAAATCTATCAATCCTTCGAAAACAGTATCTAGTA
TAATTCATTGCTTGCTACGTTAACACTTACTTTAGTGTGGAGAGGACTTTACAAATTTTA
ATCCAGGGCTGCCACGAAAATAGATAACGTATTCGATATTTAATATATGGTATATATGG
TATTCCTGGTATGTATTTCAAGATGGCGGAAAGTGTGAGGAAGAAGAGAACAAAAAGCAA
GCGAAAAATCCATGAGTGTATTTATTGATGTATATATGCGTAAATCTATGTATTTACTAA
>EP78406 (+) Dm CG15067; range -499 to 100.

TATACACTTGCATTCAAAAACGAGTTTCATTAACTTACTATTGAGTATGTTTTAAATAA
TAATATTCGTAGTAATCTTTTTAACAATTACTACAAAGAAAGCGTTATATTCCTTCTGT
AACCATTAAATGAAATTTTATCGCAGTCAATATAATTTAAAAAAAAGTTAGAACTCA
GGGAATAATTAATAACTAAATCATCTAGTAATATGGTTAATCTATAATAAATAGCTGAAATAA
AATTGCATCAGCCGCTTTGTAATTTGATTGATTTTAAAAAAAAGATGATAATTTATTAT
ATTTTGAAGCACTCATTTCTTTAATCTCCTACACAGGCAACAGTCAATAGTTCAGCT
TTGTTTTAAACAAAGGTGTACTCAATTCAGCCAGATCGGTTTTAAATTTGTATACATT
ATATATATAGATTATACAGATTATAAATCTCAGCTAATCGGCACGGCTATAAAAAGAAGG
CGACGCCGATCAATCGGCTTAGAGGGAATCATAATGAAGAGCCTGACGTTATTGGCGCTT
TTGATCTTGGCCACGTTGGCCTTTGTCCACGGTCGGTTTGAAGGCCAAAAGGTTTTAACT
>EP78407 (+) Dm CG4428; range -499 to 100.

CGCTACCATGTTGAGAAGTTCCTGCTGCCGACTCCAAGTTGATGTTTCGATTTCTATTGC
TACTTGTACGACTGGTGCGCGGAGTTTATACCAACTTGAAGCGATTGGAGGTGGATCCG
ACGGCGGCAAAGGCCCTGCAGAAGAAGCGATTGAAGAAGCAGCGTCAGGCGGCTAGGAAA
GTGGAGCTAAGGGAGGCCATCGCGGATCCCAATGCGGAAATGGTCGAGGATGCCGATCCA
GAAAACGACTTCTTCGATCTGAACAACAAATCTGCGCACTCAAGGTAGCGTAGCTAGTT
TGAAGTCCCGCACGTCGAATTTTGAAGTTTTTACATTGTTACAAATCTATACTTTGCGTA
AAATAAGAAAAAATTAATATTTTTTAAAAAACTTCATTTTTGAATGCATTTTATTAAAC
AGTTTGGAAAAAATCTGTTATTTCTATGTTATGGTCATGTTAAGTGAAGGTTCCGTAT

TTTGGCAAAGTAAAATACCTTATCAGTTGCGGTCACTACTAACAGCTACGTCACTGCGTTG
TAATCAACAAAAAAGAAAAATAAATCAAACTAACCAGCCGAGACTGATCAAATGCTGG
>EP78408 (+) Dm CG3244; range -499 to 100.

AAACACCCGACACGATCCAAATCTCTACTTCTGAGCTCAAGTTTCTAGTGCCTGGCG
GCACTCGAGCAACAACTACTTAATGGATCTCTGCGGTATAAAAAATTATCAAACACAGT
TTTAGACCGAACATAGATCGAGAAGATGCTTTAAATAAAAACTAAATAAATAAGACGCG
AGCGGGAAAAAAGTGGAAAAAAGAACAATAAATATTTATAGACAAAAGTTGTCGTTG
TCTAAAGATGTTCTGAGCAGCTCATCTCGTTGTTTTGGATTTTGTCTGCTATATG
GCTATATGGCTATATGGCTATATGGGCTGCCTTTTGCCTTTGCTGCTGCCAAAGCTTCGC
TGACGACGAGCTGCGGTGAGCTGCGCGTGCCTGCTGCGCTGCGAGTCGAGCTTTTTTC
AAAGCTGCACGAAATGTTGTTGGTGGGCGAGCCAGCGCGCTTCGACTATAAAACAGTTTG
CTGCTGCCAATTGACTTTTGTCTTTCGTTTGCCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGGA
CAATTCGGCGACTACAGTATAGAAACCGTGTGTGAGTGTATTCCAAATAGCAAGCAA
>EP78409 (+) Dm RH4; range -499 to 100.

ATGTTATTTACAACCTGCATTAAAAAGCAATTACGGAATTCGGTTAACCCACCTGCCACAAA
ACAAATAATTATATTCAATTAGGATTGGTATTCAATATTTACTTTGAAAAATTATTTGCA
GCTTTCTAAGTTTCTTTGGACAATTGGAATATTTAAATAATAAATCTATTTATTTCTT
TAAGAATGACTAATAAGCAGGCAATCCTTATCGGAGATTAATATAAGTTTCGTATATGC
AAAGATATTCTGTGTACCCCATTTTATTTTAAACATTACATTTACTGTACCCTGAAA
TTTTAACCTGACACGGTGTCTTAACGTCAATTATTTTATAACCAACCTTTGCCCGTAT
TGTGCGAAATACTTGTGATATATTTTACAGCAGACTGGGCAGAAAAATCGTCTTTCGGG
GCACGCAACCACAAAGTCTAATTGAATTTGGTTGGCAGCACAAAATGCGATATAAACGAG
GCATTGCGGTGATTGGAACAGTTTCAAGCTTGTGGCGCACACAGAGCGAAACGGGTAGCG
GTTAAGGCGTATCGGTTGGGAATCGGTTTCGGTATCGGTTGACCGATATGGAGCCGTTGT
>EP78410 (+) Dm CG3397; range -499 to 100.

CTATCAGCCACAGGGCGATTTTCGATGTCTTCTTCTGAGCGGTGCTCGTCCCCATCTCATG
CATATTGATATATAAAGCAGATATTTATATTTACTCTTAACGATTTGTCAACTGATTGGA
AGCCGCAAAAAGCTCAGAATCTCCTCTGATAAATAAAATAAATAGTATTAACCAACAT
GATCGGAGTTATGCTTATTGTTTACATGCAAGGTATTAAGGAATTACCTTAATTGGGA
ATTGGTTTTCTTTAAAAATGTGGTTGGTATATGATATCACAATTTTGAATCATTC
TTACAGAGAGCTACATTAATAATGCGAAATTACATAGTAATATATATAAAGAACTAAGAG
CGAACCTTCTCTCCACAGCTTATCACGAAGAGAAGCTTGCTAAGGGAGGCAATCTATT
TTGGAACACTCATACCTACATATGTTAAATCACTTTATGCATTATAAAGTGCCATT
TTTCTAGGAGTTCTATTCTAAGCTTGTAAATTGAAGCGAAAAGGATGTCGGGATCAC
TGCCAGCTACTTTCGTCAAGGGTTTCCACGATGAGGAGAAGGTGCGTCGTATGGAGTACC
>EP78411 (+) Dm MRPL45; range -499 to 100.

ACGCATACGATTGCCAGTTCCAGCAGATTATGGTAATTATTGTCGCGGAGCTGCGGGAAT
ATTCTATTTAAATATTTGACTTCCAGATGAAGGCCAAGATGTTCAAGGCCGCGGTTACC
GCTTCTTGACGACTTGCCTCCGACTGCAGCGAAAGTTGCGTGGATGGCCCTGGTGAAG
AGGAAGAGGGAAATTGAAGCACCCAGAAGGCATATCTCATCTATTGTTTCAAGTTTTTCA
AAATTCAGCAGCTATCTATCAAATCTATAGTTTTATAAAATTAACCATTTACTTCAAG
CGTATTTTCAAATTCGTTTACTAATTTCTATTAACTATTAATAGTGTATCTACTACC
CCTTGTTTCAATATAGGAAAGTAACGAACCTATTCTTTTTCAAATTCAAAACATATAGCT
AATCGGTTTTGGGTTGTTTACCTACCCAACTTATCGAATGTGTTATCGGTGTAATCACG
TTTGCCAGCTGGTGCCTTAGTGTGTTCCGTTGATTCTTCAAAGTTTGTTATTGCGGA
GTTTCCTATTTATATAATAGAAATAAAATACAATGGAGAAGCTAGCGTCGGCCAAAACGT
>EP78412 (+) Dm PP1-ALPHA-96A; range -499 to 100.

GCTCTCAAGCGAAGAGCAGACGGATGAGCAAACGGATAGCAGCGAACAGCAAACCTCGAA
GCCCCAGTCTCAAAGCACTAGTTAGTCGCGATTTCAAGGCTCGTCTGGAGGAGATCCTGG
TCAAGCCGGCGGCCACTATTTCGAGGAGCTTCCAAGTCGTCCCTGAGTTTCGAGGCCAGTTC
CGTGTCCAGGAAGCGGGTGTGTTCAACACCACGGAGGACGGGAAGAGCTTCAATGACA
GCGATGATAACCTAAAATGAGTCAATAAAGATGATATTATAACTTTGGGTATAAATGT
CAACGATACGTTAATAGCCAATATATCATAAGATAATTATATTCCTTTATGAGTACCTA
TCACCTGTTCAATGTACCGTACTTAACATAAAAAATATTGTTTTTAAATGAATTTGCATA
TTCCGGTCACACTACCTTTTACCGATAGCTGCGCGCCGTGCAATGGATAGGCAATCGATA
GGCAATCGACTGCGCTGTAAACAATCGACGTCACTAACCAACGTAGATGAAAATTTTTT
AGTACGTGCGAGTAAAACGTGCATTAAATGCAATAAAAGGGCAGCTGGCTAAGGATCGG
>EP78413 (+) Dm SPN43AB; range -499 to 100.

CCAGTTTCGGCTCCACCTTGGGAGCAGTGGTCCAGAGTGGTCTCCTGGAGCTACAGGAGG
ATGGCGGCAATGCCGACGACTCGTTCTGTAAGTGATCACGCCAGTCTCTGACCAAGAAGC
CTCCTAAACAGGTGTACTTCTAGCCTTCGGGGATCTGTTCCGACGAGCCCTGCCCTGG
TCATCAATCACCGTTCTTTTACGCCATCGGCAATGGCAAACTCTGCTGCTGTCCGGCC
ACATCGTCGACATCTGAGTCTTTCTAGGCATACCTAATTCTCGATTCCAATGCTAGTTCA
AGCCGGGCGGGCTATCGCCTTATCAGCCCCACTCAAATCTCCGCGAAATAACAGAATCA
CCCGTGGCCAGCCAAAGGTGACAAATGATTGTAAACACACTTGATCGGTATTTGTATTT

GGGACCCGAGAGCTGAGTTTCGTGTTTGAATCCGACTTGGATCAACCTCTATAGGCGCTC
TGCATCGCAGAGATTTACAGTTACATTCCGACGAGCTCAAGTGCGAATCAAGCGGAGCA
GGAGACGCCCATCAACAATTTATGTGACGACCATGGCTGTCATCATCAGCTGCCTATTAC
>EP78414 (+) Dm CG14749; range -499 to 100.

GGTGCCTTAGCACCAACACCATGAGGAAGAGGTTTCGGGTGCGGCTCCAGGTGGGGGATT
CTGCTGCGGTGCGCGGACATTGGTCTACGGAGCTGAGTATCTTTGTGAGAAACTACCG
AAGAAGAAGGCAGTTATGGCTGTGAAGAAAGTCACTAAATTATTTAATCGCTCATTAT
GTGTTGTTTTGACTAGAGAGACCGTGAAACATTTCGCGAAAATATACCATGTTTACTGGGG
TATCGAAATTTGTTTCATTGAATCTCTTGCTTGCAATTGAATAATCGTTAATTTTGG
TTTTATCATAAAGTGGAAGCAAATTATATAGACTGTATACTTATGTATACTGTCTTAAA
AGTAAGTTAAATAAAGTTTGCACTAATAATATATTTTAAAAATTCGAGTTCGGAATCGCT
GGACCAAAGCATTTCATTTCGTAAGTAAGACCGTATCCCTTAAACAATAACGGAATCCTG
ATTGCCGCCAATGCGAGTAATATAAATTGAGTTGGCAGTCTTATGCTATATTTTTGTT
GATTAAAAAGTGTAACCATATTCGAAATTAAAGTAGTAATCGTATTAAGACACTGGG
>EP78415 (+) Dm CG17593; range -499 to 100.

CTGTTATGGTAAAAAAAGTAACTTATTAGCATATTAATTGCCTTTCAAATGCAGAAATG
CCGCGGCCAATTGCATCAGCGCGCTCGTCTCGTGGCAGTTCCTGTGACTCATCGATTTA
TGGGGGATTCCCATTCGCGGCCAATGCTCACCATAGCTTAGTTCTCAATGATATTCGTA
ATTGTTTAGAACAAATTTCTTCATTCAAATCGTGGCACTAGCAAAAACTTAATATGTTTC
GAGCAGTGCAACGTGTTGCGGCCAGTGTGGCAGCAGAATAGGCGGCGCAAAATACTGACT
ATTAATAACAAATTTTAATTCATTTTATAATTTTATATAACATGCCTCATATTTATAGA
ATTTAATAATTAATAATTAAGAATTAGTTGGAAAACATTTAACAGGCGTGTGCTTATT
GGGAATACCGAATTGCATTCAAATAAAGGCACTAACGCGTTTTATTCTTCAATCTGCA
CGCGACTGTCACACTAACCATTAACTTAGTTTTTTTTCTTAATTAGTGTGAAAAGTTT
TAGGACATTTAAATAAATTATAACTTAAGTGAACCGACTAGATTACGCCATCGTACTACC
>EP78416 (+) Dm CG8600; range -499 to 100.

GGGTTGGATAACTTCCTCACCTACGACCAAGTATCGGGGAAATCTATTGAAGCTATTGAA
TAGCTGGATTGTTTTGAGTTAGGATTGCTTCGAAACCTGTAATAGTTGATAAGCAAGTG
CGATTATGTTACTAGCGGCACGAAGACGCGCAATTTAACATGTTTACAATGGTGGTTTAA
TATGCCTGTTTTACGCAATGAACACGATATTTCTTCGAGTCGCATTAATTTTGAAAAAT
ATAGATTAATATTGTTTATCTTACGTGTCGGGTTTTAAACATGTAATTTGGTGTTACA
AAAATAGCACATACGTTAATTTTAAATTGTATGTTTATAAACATTGTTAATATATTTA
AATTTAACAATAAATTAATGCTAAATGTATGCAGTAAAAAATTACACAACCTGCAC
TTGCGATCGATGAATGTTTATGCTCGCTTGCAACCATGCGGCGAGTCCACAAAGTGCCA
TCACTAGCACACTGAGCCTGGCTTTTGGGCGTTGTTTTCGTAGCAGCAAAGTGGCTGAAA
TTAATAACATTTAAGAGCAGAAGTGTGTAACACACCTGAATGGGACTTGTGCCAATCTCA
>EP78417 (+) Dm CG11658; range -499 to 100.

GCACGGTAATAGTGTGGCCGAGCTGACCGTCAGATAGAACAAGCGGTACACTGACAAA
ATTCACAAGGCACTGTTAAGTTTACAGCTTGCTGGGAACGGTACTTTTCTGTTATTATTT
TCATTGGGTTAACAAATGTTATATTGTCAAATTCCTGTGTTACCTTTTGAATATAACATA
TTCTATAACATATAATATAACAATTTTATTAGTTAGATACAATAAATTATGGATAAACT
TCAAATTTATTAATTAATAATTTTAAATTTGTTTATAAGTTAATAAAAAAATATGGTTTGC
ACTTAATTGCCTGTTTTTAATTCCTTCAATCATCATCTTTTTCGCTCGATCCGGCAGCAC
TTACGCAGCATTACAACCTCCGTGGCTGCGTGGTATATTTTGGCGCCACCACGTACGGTCA
CTCCAGCGCGAGCTGCGCGTTTGGTCCGTTATAACGAGTGCTTAGTTTTCTCGATTTG
GGGCCCTGCGGAATTGGCAGTTCACTTTTCTGTTGGTGGCTCGAGTGCAGCTGAAGTGGCG
CAGCGAAGAGCGCTTTTCCAGGCACAGTGCGCCACTACTTGCTGCAAGTCAGCCACAGC
>EP78418 (+) Dm CG9629; range -499 to 100.

TAACTTTCAACGGCAACAACTGCTAAATATGTGCCAACTAACAAACATTTTATTAGT
TCACTTGTGTCAGGGAACAGAAAGATTAAAGCCAATCGAAAGCGTAAATCGGATATGAAC
AGCGATATTTTATCAGGACATTGCAAAAAATGCGAAGCTTAAGTATACTAAAACAAATA
TGAATAATAAATACATTATACTGAAATTAGTGCAACAGTATCAATAGGTTTCGATTTAGT
ATACTAATTATTTGCGATGGATCCTAGGGAATGATCAAAACCAACACATAAAATATTG
ACTAACCATCTGAAAGTATGCTACTTTTTCATGACCACGCTGCACTCAACCTCTCAATTC
TTTTAATTCAATTGATAAGAACCAGGGGAGCTCCCTCCCTCCCTCTCTCCTAACGCATT
CAATTCAGTTTTCGACTGCGATAAGCTGCCACAAAAGCCGATTTGTCCCGCTGGTTTCAG
CATTTCAGAAATCCGCCGTAGTTGATAATTGACTTGCGACTCGGCCAGTCAGTCGTTCCAT
CGATCCGGACACCTACCAAGTGAGTACCTTCTAGTGGAGATGCTATCAGTGGATCCGCTC
>EP78419 (+) Dm CG3061; range -499 to 100.

TTTTGCATCTAATTCGATTGCACTCGTTTCGGCGGCGACCTTGGCTATTAGTTTGCAAA
TTCCAAGTAAATACGACGAATTTGGCGAATCAGCGAATCACTCGCTTCCCATGCTGCGGC
ACACACTCACACGCTACCAACCACACGAACGCATACATATGTTTGTGCGCGGCGGTCCGG
CAACGCTGCGGCAATGCAACTCTGCCTGGCCACTTGGCTAATTTTGGCTATTTACCAGCC
AACTACTTTATAGCTAGCTGCTTATATATTTTCTTTTGGATTGTTCCAGTTTAATAATA
TAATATAACAATTATATTTAGAAATTTAAATTTTTCATAAATTGTTTTAAATATGCTT

ACGATTTTTATTCTTATTTATTTCTTAAAAATATTAGGTGACTGGATTTTAGCAATAAAAA
CAAGCTATATAATAGCACAGCTGCATATGAAAGCATCTCTGCTCGTGTTTTTTGCCTTG
ACTGGGTGGCAACTCCCTTGTCTCGGCTGACGAAAAATTTGACCGAAATAAATCAA
TTAAATTGAAAGTGTAGTGAAAGCAAATTCACAGTGAAAAAGGTGCAAGGTGGGAGGCT
>EP78420 (+) Dm NUP58; range -499 to 100.

TTTGGTATTGTATTGGCCAGAAGTATTAATAATTTGACGTTTTTGTAAAGCATTAACTTT
CTCATTTATCCCATCATGAATTTTTCTTTATAATTTGTAACTTTAATTCATTTT
AATTTAAATGCAGCGTTTAACTGCTTCGCACTGTAATAGTTCGGCTGTATTTAAAGCT
ATTGTAAGAAATTAGTTTCGTAATAAATTTTATATTATTTTAAATTTGAAATACATAAA
GATTAAATTTTGAAATAATTTATTCATATTAATATCTGAAGGCTATCGTTTGATATTTAA
TAACAACCATGTTGTAGTGGACCGAACTCACCACACCTCAGACCAAAATTAATATTTGA
AAATCACAAATCGTAACATATGAAGCTGCAAACTTTTATATATCTTTAGCCATAGTGT
ATTTATTTCAATCAATTTGAATACTTTGTTGATATTTTCCGAATAAATCTCTGCTGACT
AGCTATCGATATCACCGATAGTGTCTCTGTCTAGAAAGTTAAACCACAGATGCTCAG
GCATTAACAAAAATTAATTTGCAAAATTTGTTGAGTAAATATAGTTTAATTTGTTTAAAT
>EP78421 (+) Dm CG7872; range -499 to 100.

TCGGACACGACTGTGGGTAGGTTTTAAAGATGTCTCAGTGTGTCGCATGGCTTACCTTCT
GCCATTTCTTTGAAGAAGCTTTTGGTTTTCAATAAAGTGTTAAGTGCCGAATCCACATGG
TAATTGAAGTCCATTTTAAAGCCAGATTTATGCAGACGCTTTGCAAAATGCAATCCA
GAATATTTGGATCCAAATGTTCAAGACTGACGCTTAGCTAGGTTTCAAGTACGACCGATAA
GTTTCGATAGGCGCCTAACGAGGGTGTAAATCGGTATTTGGCGAACTGTTAATAATCGTGG
TGTATAAGCATGGATTTTATGCTGAAATTTAAGTAAATAAATGTGCGTCAAATTAGCG
ACTCTAAAATAAAATGTAAATGAGTTAACTTAGAGTGACCATATCCCCAACATACGGTC
TTATCCACCCGCGAGCTATCGCGTTATCGGTGTTATCGGCCAATGTCAACCTGGATAAC
GAGCGGCGGCCAACTTTTTCAGTGTGCCAAACGCCGAGCAGACGGACGAGCAGCGCCAGCG
CGACCGCCACTGCCACCAAGTGTCTGCGGACCAATCCAAGTACAACCAATCCGCTCCGAT
>EP78422 (+) Dm BCDNA LD29892; range -499 to 100.

GAGAACAGAGCGTTTGTAAATAAAGAAGCTTGGCTGCCAATAATTCGCCGATTCTTAGA
AACTAGAACGTCTGACGATTTGAAGAGGAAATTTGTTAGTGAAACGGCCGAGTGTGC
ACATACTCGGAATGGCTTTAAAGATGGCGCTATTACAGTTAATGGTGTGGAGACTG
TGACAGCTAGCGGTAAACAAAAGCTCAGTTATATTTTTTATAATGTATATATATATATT
TTTTTTAAACATATATATTTTGGCACAATTCAAGCGTGTGGGCGTTGATTATTTTAAAC
AGAAACCTTACAAAATTTGCTCTTATAGTTAGTTTTATCCTGTTTTTATTTAATGAATT
TCAAATTTCAAATATTTTTGTAAACAATTTTAAAGTAGGCCAAGGGTTTGTGTGCGGCT
AGTGCAAGCAGTCAACTTGCGGCATTTTTTGTACATTTCCCTCTGTGCTGGGTTATATA
TTCGACGGCTATACTCCACTGCTTCCAGCGGAATCGTCAAAAAATAACATTAAATC
GCCGTGTGCATAATTAGAATATTTCCGAATAGTAATCGCCCGTGAATCGCTAATTAGCG
>EP78423 (+) Dm TEF; range -499 to 100.

CTTCATCGCAGGCGCAGCATTCCTTTTGGCAGCAGCTGCATCAGGCTTTCGTTGCAAA
TCACAGTGGATAGGTTGCCATCGTCGGCAACCAGGCTCTCGGACCTCGTAGACCATTG
CTGACAAAGAGACACAGCCAGAACCCGACTCCGGAGCCACCCACATTACCTGGACTTCTG
TTTTGGGCAGGTCTGTCGCCCTCGGAAACCGTGTTCACGCATCTGTCTGTTGAAGTGGGTCA
GGGAGTCACTAAACAGCTGGAAGCGGCCCACTCGCCGGGGACTAGCTGCCTGTGGACGAC
GGGCGCCAGTGTGTGCTCCGAGTAATGGTAAAGTGGGTGAAATGCTGAACCTTCAAGT
GAGTCCGGGATCCAAGTAGAAGTACTACCAATTTTTTTAAATTCAAATTCGATTAATA
AACTACGTATCGATTAAAGGAATCGATGCCATCACTGGCACTAGCACTGTTATCGACA
AATTTATGTACCTATAGTTGTCTCGCTCTTTCAGCCCTCTTTTTAAGACGACGCGGATT
GTAATTTGTTAATATTATTAAGTCTTTAGTCTGTGATTTTTATAATGTCTAAGTTTCTG
>EP78424 (+) Dm CG13907; range -499 to 100.

GCACCCCCAAAAAGCTGAGGAAATCACAGAAACGCAAAATCAAAGTCAAAGAAAAATCA
AAGCAAAGAACCAGCGAAATTCGGGCAATTTAAGGAAAAACAAACATTTTCTAGTGACCT
CAGCTGCAGCTGCAAGTGCAAGTTAAAAATACACAAACAAAGCGGAAATAAGCGAAAAATA
AAGCACAAAAACCGCAAGGAAATAGTAACGGTTAAGTTGAAACAGCACAAATAAAGT
CAAAGTGTTCAACTGGAGCTAAAATATTAATAAACAGGCCAAAGGCAGCACTCGTCTAA
TATTTGCTTAAATACAGGCAGCCACGCTTTTATCGCTAGTGAATTTATGAATTTATCA
AACTAAACGAAAAACAAAATCAATAACAATTGACACACACTCACACAAAAGCCAACTGC
AGTGGGAGAGCAGCGAAGAGCGAGCTTGCAAGAGAGCGAGTGAAGAGATAAACTTGGGC
TCTCTCTTCGATTTGGCATTACACGCGGGCAGCGACGCCAAGCGGACGTTTCTCTCTC
CTTCTTCGCCCTTCGCACTTCACACTTTCTAGCCACTTTTTCAACTCCACCAAAACCGC
>EP78425 (+) Dm L(3)00305; range -499 to 100.

AATAGACACCAAAGAAGTTTGTAAATTCACCCAGGAGGAATGCCTACTCTTCATAGTA
TTGGGGATAGTTTACTTGGTGTACAGCCAATATTAGTCAATTTAATTGATAGTTATTGTCA
TTTAATAGATTGGTATTGTGTTTTGTCTCCATTTCCATCCAGAACTGATGATACAGCAA
GGCTCTGCAGGCATTGGCATAAGTAAACTCTTTGTCCCAATTTTGTGACTTTTTCTTCAT
TAAAGAGAAGAAAAGTAAAGTAAAGCCAAGTAAATTTGGCTTGTGTTTGGTACTTTTAAACA

ATGGTTACGTTTACAATTCTTCATCATTAGTTTTAACAATAATAATATAGCGAAAT
AGGTATTAGCTTGACAATATTCAACTATTATCCTCGAAAAATTTGGGCCAAAAATAAAAC
TAAAAAGATATAATCAAAAAATTAAGACCCATTGGTATTTTAAAGAAAGTGGTATTTTTTC
GCGCGGGGGCGTATTGGCGGTTGCGCACCTGCGGCCACACTGGCCAACCCACCACTTCGC
TTAGTTGTGTTTTCTGCTTGCCTTTTCCACTAGTCTCTCTCGGAAGTAGTTGAAAAAT
>EP78426 (+) Dm BEL; range -499 to 100.

TTTCTTTAACAGACTTGGAGGGAACCTTGAGTATGGAATTGTTTGGAAATTTTTAATACCT
ATTTTACGGCAATCACATATATACTAAATTTCAAATTTAATTTGAATTTCTTTGACTT
TTGCTTCAAATAACGAAATGGGGTACAGCGGCTGACGCCTTATAAACAACATTTCCTAAA
CATAAACACAAACATTTTTGGCCTTTAAGAAACAAAATTTAACTGCCAGCCTCATTTCT
CTTCCATTCAAAAAACAACAACAGCCTAGAAGGGATCGACGCGCCGAAAAAGCAAAAGTG
AAAAAATTCAATTTGAATTTCATAGACCGCGAGACGAGGATATAGATCTGGCAACGCCCT
TGCCGGAGTCTTTGCCAGTAACCGCGCGCGAGAGCCAGGTTGGAGTCTCTGCTCTACCT
CCACCGACCGCATCTATCGATTCTCATCGATATACGTGCTAAAGCAGCCCTGATTTTTT
AGACACGCGTCTGAAAGCGGAAAAAACGTGAACTCGTCGGAGAAGCAGCATTTTCCAAG
CCCATAGCGCTTGTAATTGTAATTGTTGGCACAAGCAGGCCAGCCAAATCCGATACGGAA
>EP78427 (+) Dm CG7966; range -499 to 100.

TTTGAAAATAGCTTTTGTAAATAAGTGCCTTTAATACCCTATTACCCACACTTTACTTAA
ATTTCTAAAGCAATCATTGTTATTACATGACAGATTGTTTCAAGATATTTCCCTACAAGTTA
TTTACTTGTTTACTTATTTTCTTGATTGAATACGTATAATTAAATATAATATACTAATT
AAAAATAATAACGAAGACAAGAGAAAAATGTCTAAAATAGAAATGAGCTTAATTTAAGTA
AATAAATTATATAGCCTTATCTAGGGGCGTTGTTTGTGTTTTGTTTTTTATTATTATAC
ATATGTTCTCATGTTCAATAAGTCCACGAAAACGAGCTAAACCTAATCTATACACATTA
CTGACCTGACCTTACCTGTATTAGTGATAAGAAAGCCGCGCCGAACCGGTTCTCTTTAGTA
AATGCTTTAAGAGAGTATAAAGATAAGTATCTCCGAGAGAGCCCCAATATATAAAGCTCC
CGCTCAACATCGTTTGATATTCAGTTTGCCGCTGTTCTTCGACCCACAACAACCGCCAAG
CAATGTCCAATAAAAGTAAGAAAAACAAGAGACGTATATGTACACATTGTACTGCAACA
>EP78428 (+) Dm SYFA; range -499 to 100.

TCTTCATCTCGCAGAACGCACAGTCGATGCGGAAGCTGTGCAGGCTCTGGAAGTAGATCT
CGCCGCACTTGCGGTTGCGCCATTCCGGCGTACGTGTCCGGCTTGAGGGACTTGAGCATGA
TTGCGGCTCCCACTGGCGTTGCTCCCAAGGATTGCTCCTTTTTTCGAATATATTCGC
CGTTCTAATTGGAACGCAACTTTTAGTCTTGCGTCAACAGCTGTTTTTATTGGAGGTG
CCACTGTGATGGTAAGCGGAAAAATAAACCGAGTTGAAACAGTTCTTTATATGAGACAT
CTTTATTATTATTTTACTTTTGTAAATGTTAGTGACAAAAGTATCATATCTTACTAT
TCGCTGAAATATTTATACAAATTTCCAATATCTAGATATAATTATAGCTATTTTAAGCTT
ATTGGCTATTTTTTAGCCACCGTCGTCGTTTGAACGATAGACGAGTTATCGAAGAACG
ATAGCTCCGATAGGCTGCGTTGTGGCAACACGAGATTCCGGTATTGAAATTCGAATTTT
CTTGAAAGATACAACCAATTGAACCGCCAGCTATGCATCCCGATCTCACGGAGCGCATTTCT
>EP78429 (+) Dm TSP42EJ; range -499 to 100.

CTAGAATGCATAGCAACTCGTGAATCGTTGCTGGTATTACAGCATTCTAGGCAATCTT
CCACAAAACGTGACCATCATCATCTCTCGTAAAAGAAAGAAAAAGAATTAACCTT
GGTTGTGTTGTTAATAGCTTCATCGGTGCTAAAAACCTCTGGATACATTAATATTTTCC
TAATTGCTTAAGCTCGAATCCATTCAATCATTCAGCAGTTCACATATGTACGCTCATGAC
AGACCCGATAAGAATTCGAAAAACACCACCGTGTGAAACGCCAGTCGACATGACTTGGAG
CTCTGACCCAAGTGCAACGCTCTCTTTGAGAGAGCGAGTGCGCTCTGTGTGGTTTTATT
TGATTGGGGAACAACAGTCTCACGGGAAGAGAGAAAAACAACTTTTCCCGCTTTTCA
TTTGCCAGCGAACGCAGAACGCGCCAGACCAAAAGTTTCAAGATTGAGAGGGGGCCCTTGG
GTCTCTCATTTTTTCTGCTCAGTCGACGGGCAGCTTTTGTGGCATCAACACCACGAGTTCC
AATCCGAAATAGGGCTCAGAGCTCCGAGCCAGTTTAAATGTGGGTGTAGACCTACTCTGG
>EP78430 (+) Dm ADAM; range -499 to 100.

TTCTCGACTATAAGATAGCCTTAGTCAGCAATTGGGGAGTTTCAGGTTATATAACGACAC
AGCTAGTTCTTCTTATCAAGAACATGCTTATGTATGTATATACTCTCTACTATATATAAT
TTATCGAGTCGAATCAATTTTCTTATAACTCTAAGAGTAAGTTTCTTAGAACACCACGA
AGAGGGGAGATTTATCACGAATTTTTTTGAAAAAACTTGTAGGGTAACTCAAATCTTTA
AAAACTTAAAGATTTCTTAACAAAGTTGACAAATTTGTGTTTGAATAAAATAAGCAAT
CTTACAATCAAGAAAGGAAAAAATGAAAAATGAAATATTGTAGGGTAACAAATTTCAAA
TTGTCGATAACTTGATATCACCTTGCCGCACTACGAATATTGATGGCAACAGACTATC
GGCGACGTTACCCACGCATTTTCCGCTAGTCGCGCTTGGGCACACTACAGATCCACAGA
AATTTGGTTTTGAAAAATTCCTGAAATCGCTGCCGAGGCTGGAACAAGTCGATCCACAGC
ACCATCCCATCCAGAAGCACAAATCCCGCAAGCAATAGGCAACCATTAACATGGCCGAC
>EP78431 (+) Dm CG9119; range -499 to 100.

ACATTTGGTTTGGCTTAATTTATGGGTCAGTTGGGGACAACAACCTTTCTTGGCGCTTTT
GTAGACAGAGAATATGTAAATGTGAGCCATCAAATGGAGCAGCAACCAAGTTATTTTAGGG
TCCGAGCCCTATAGAACCTTTACGGGCAGCGAAAGTGACAACGAAGTGGAAGTTTTTGT
GGCATTTCATGGAAGGTGTGTGCCTCACATTGACATAGGTCGTTAAACGGAGGTGCTACT

GTAACGAAATAGCCGACCGTAAATACGCCTTCTGACATGCGCATTAAAGCGTGAGAGCT
GATGGATCGCTCCACCTCCCCGAGGAACCTTAAGAAGCTCGATCTCGACTCTAATTA AAC
TAAATACGGCACAAGAGTTTATCTTATCGGCGGATGCACCCTGTGCCGACCGGCCGTACC
AGCAATGTAACTATAGGGCAAACCGGGAGCCGAGCACTCAACTTTAAAAACGAGACCC
CATCTGGTTTCAGCAGACAGTCGTGTTTGAACGATCTAGCGAGCGGTAGGTAGCCTCAG
CGCGACTAGAATACTTGGTGGGCTAGAGAAAGGAATCCAAACCTGAATCGGAACGAGGCC
>EP78432 (+) Dm CG12079; range -499 to 100.

ATTTCCAAGAAGTTTTCAATTCTCGCAATTCCAAACGCAACGCGTTGTCACAGTTTTT CAG
CCAGGGTAGTCGAATGCACCTAAGATCTCGGTATTTTCGGTATGTTTTCCATGAGATGTAC
TTCAAGGAACGTGTTGGTATTTTTAATGAAATAATAAATGAAGTAGTAGGGTACATTTCT
TTTTTTTAAAAATCATTTAAACCAATATTTCTAGAAAAGTTTTGTGGTTGGTAATGAAGAA
TAATTGTAAATGTTTTCCATCTGCTGTACTTCAAGGAACGTGTTGGTATTTTTAATTA AA
TAATAAATCAAGTAGTAGGGTATATTTATTTTTTATATAAATCATTTAAGCAAATATTCC
AAAAAATGTTGAGGTTTTAATGAAGAATAATTCGGTGTTAACGTACACGAAATACAAT
AATGTATGTGCGGTATTTGTGTTGTACCGAAATTGTCAAATACCGAAGTAGGGCTGTCG
AGTAGATTAATTTGGCGCACTGACAACCCTAGGCTCCAACAACCTATATTGACATTTTAGC
ATTACATAAATTGTCAAACGAGCAAATTGTTGAATTTATATTGAACAGTTTGTAGAA
>EP78433 (+) Dm CG16979; range -499 to 100.

GAGAAGGAGCACGATATTCAGTTGAAGCAAATATAAGAGGCACCACGCAATTATGTACT
GTATATAAATGTGTAACATTGATAGAATTAACGAATTGTGGACTATGGATGATAGTCGAT
GGGAGAGTCATGGAGCCAGTGGCGCGGTGTTGGGCTGCGTTTATAACATTTTTGCGAATC
TATACACTATGCCGAATTCATATAAAAATATATTAATAAATGTTATATGTGTGTGA
CTTGAATGAACTTTTAATTAGTTGTGCAGATGGAAAACGTGCGCAGCAAATACATATGT
ATATATATTGGAATAAATGGACTATTATATAAAACGTTGGCTCACATTTTAATAATTAAA
CCAATGAATCTCTAACCTAAAATCCTACCAAATGTCAATGCATACATTTCTATCCAAAC
AATTTATTTGAATTCATTTTCAAACCTTCCAATAAATATACATATGTATGTCGATAGGAA
AATACCATACAGACACTCAGTTATCGATAAAAAATTGCCAGCTGAGCAACATTTACTCGG
GTGGGTGGCCGTGTTACTTTATTTTATTTTCATACATTTATCAGAAATATGCTACCCAAA
>EP78434 (+) Dm TENSIN; range -499 to 100.

AAATACCCGATGACAGTTCTATTTATAAAGCTGTTCTTTCACTTTTCGCAATATCTCTGGA
TTTGGTTGATACAGTTTTTGGTGTCAACAAAAATCGAAATTTACAAGTAACCAATATTGC
AATTTTGTGAAATATATTGATAATGTAGTTTTAATACTTGTATATAAATGATTACAATTAC
TGTAAGATTTTTTTCTATCTACGATCGAACAAGGTCAAATGTTGCTCATACGCACATTTT
GCCACAAATCTGTCAAACATATTACCCATACGCCAGGTTGGTTCGCACTATTAAAAGTTCA
TAATTAGAAATGTTTACCTAAAAGATGGGTTGACGAGGGCCTAGCCCACTGTGCCCACTC
ATGGCGAACCAGAACTGACTTGAGGAGGTTGACTTGCTGCTTGACTTGCCACGCGAGAG
AGAGGTAGAGAGAGAGAGCGGAACGCCAACGCCGACTCTACGGTTTGAGTTGTATCTTCT
CGACCTTTTTTTTTGAATCAGTCTTTTGGAAATTCGCGAAACAATGCGGACGCCGTACGAA
GAAAGCGCTGCTGCCGCCGACCACAAATATCAATACCAATACACCGCGGCCAATAATAAC
>EP78435 (+) Dm SEC13; range -499 to 100.

GGGTGTATGCGATACTATTGGACGTAAGCTTTTTAAATAGTAAGGGTATTTTCTAAGCTG
ATTTTTTGCTTTATCCTGTATTTGTGACGTGTATCATATAGATTATATTCGTTGCGAACA
AGAATTTTAATCAACAATCCGTTTAAATTACTTGCCTCTATCGAAATACAGCCTATAATA
AAAATATTACAAATTATGAAAAGCTAATTTATACACTGTGTCTGTTTATGTATCTTACTA
TACATGTCCAACCTAAATCAAACCTGCTCCATAAACGTTTCATACCAAACACCCACCTAAA
CTGTATCTAAATCCCACACAAGCCAAAACCCGATCTAAATTGAATATAATTAATAAATT
CTTGTTTTACTATAATATGAATATGAATAATATGAATATGAACTAAAACTTTGAAATTA
TTCTATCTCATCTATGGACTAGAGTGACCATGTGATCAATTGCAAGTGAACCATCAGCC
ACTGCCGCGCTCAGGTCACTGCTCAACCAGGTTCCACGTCAAGCGCCGGAACCAATAACA
CGACTTGCATTTAATCAATTTATCTGGCGACCGGACGAACGGATTTTCGAGCAAGATGGTG
>EP78436 (+) Dm CG1523; range -499 to 100.

AGTATAATTTTTGAAACTCGTTAAAAAAATATTTAGCCAATAAAATCACATTATTGGCT
ATTTCTTATCACTAAATATAAAAAATTTGTCAAAAATTTTTATAAATAAATAATGTTATA
TAGTTGCAGAATAAATACTGAAACAAATTTGTACGTCTTTACTAAAAAGATGTTTGTATC
TATTTTTACAAGTGGTGTTAAAGCACTTCGTTTTTCAGGGCTACACTATGAAATTGTATC
ATCGTAATTTTCAAGATATATTGAATTGCAATAAGTGCTTTGGATGAAAAATACTTCAAGT
TAATCATCGTACGGCGAAGCAAAAAGAATCGATTCCATTAATTTACAGAGTATTGTGCCA
AAAAAGGATATTTTAAGTCCAGATGATTATCTACCATTGATGAATCTACCATTGTTCAAC
TTTCTTAATTCTTGATTGTTCAAGTTGTA AAAAGAAATCGGTTACAAGCAGCACGGCGTTG
CACCCCTGGTTTCAGAATAAACACAAGAAAGGCCACGGGGAAATTTGCATCGCGGTGCCTG
TGAAATCGCGAGAAGGCACACCCATACACTCCTCTAGGTTTTCCGATCCACTTAAGAG
>EP78437 (+) Dm CG33203; range -499 to 100.

CGTTTAAATTCAATGTACTCTTCTCTAGTATATAATCGTAATGCTATCGACTATAATA
AAATGCAAAGCAAAGCAATTAACCGCAATACTAGTTACTGACGGCATTAAAGTGCCCAT
GGTATTCACCCAGTTATTACACTATAACGTGATCTGTATTCCAATCACGCACTCCCTC

TAACTTGGGATAGAAATATGGGACCCACGACCGAGCGGGTGATAAGGAAGATCTTGGGCA
GGCTTCCACCCGTGCTGCACTGAAAGAAATTTCAAACCCATGCATACAATAATATATG
GCATATAAACCAATTGGCAAGATTTCTCAACCGGAAAATATATACAATATATCATATTAA
CAAATTGAAATTGAAAGATGGATATAACAATTTTAAAGTCGGATCATCTACTGCGTTCAGA
TTTTTCTCAGCGCAGCTTAATCTCAATCTCAGTCGCAGAGAGTGGGTGCGGAAGTGCCTC
TTGTGCGAGCTGCCCCTCAGTCGCTCTCGGAGTGTTGCCATGGAGAACTTTGGTATCGC
ACATGCCCTGCTCCAGCTACTGCTGCTCCATCTGGTGGGAAGTGGTCGAGGTCACCTGCT
>EP78438 (+) Dm BCDNA LD21675; range -499 to 100.

TAAATAGTGTGAAAGGTGCGTCCTAACATTCTAAAAGAAATATTTTTTAAGATTTTAA
ATTTAAAATTTTAAATTTTTCTCGGAAAAAGTCTCAGTCGCTTGTTCGCAAAAAA
CAAGAAATTTATTTTCGGCTTTGAATGTCGTACGTTAAATCTTTTATAAATCTGATTTTAA
AACACAATTATTTAAATATGTTCTTTTTTTCGTAATAAATGTCTTTATTTTATGATT
TAAATTATCCGTAATGGATACAAAATGTATGTACCAAATAGTCTTATTGTTTTATTTTC
ATAACTTAAAAAATTTATAAATGGATTTTTTATAAATAATAAAAAATTTTATAAAAAAT
AAAATACTTTAGCAATAATTAAATCACGTAAAAAAGTTGCTATCGTTATCGACACTGAAC
CTGTGTGAACCTACTATAAAAGCTGCAGGTGAAAACCGTGGCTCAGGTAACATATGTATA
TCGATAACTTTTTACCCATACAGTCGTAGTAGCGCAAACACGGCGTTGTTTCGAAGTTT
TTTTGTATTAGTTTCTATCCTGAAATGTTGATATTTGTGTTTCATGCGAAGATGTGTGAT
>EP78439 (+) Dm HPO; range -499 to 100.

CTCATGTCAATCATGCCAACATTTTATTCTATTTGATGAACAACAACAATCGATCCATAA
AAGCAATTTAATTTTATATACAGAAGTAATAAATATTTAAACGTATTCAAAGTGAAACAA
ATTACCTAAACAACCTAATATTATAAATATTATATGTTAATCAGAATTTACTAAATCTTT
TTAATCAAAGTACAAAGTAAATCGTCATAAATCTAATCAATAGCCATGAGAAAAACATAG
AAATGCCATCATCAAGCAAAGATTTCAAAAAAGAGGTAAGCATGCGTGAGTTGTAAATTT
AATTTTAACCTTATAATTCTGAGCCAATAAATTAAGTTTTAAAAAGCGCGCCAAGAGAAC
TTATCGATAAATGGCTAATTCGTCTATGCAGCACTGGTGCTTTGTTTACATTCTGCGGTG
TTCGGCGTTTGTCTGGCAACGCCGACCTGTTCTGTGCGGGTGGCGTGTGCAAAGTGCC
GAGGGCACTGAGAACTACTAGTGTGGCTAGCGATCGAGTGCGAATAAAGAACAAAAGTG
TGATATGTCGCTGTGAATAGCCAATTATCTGTGTTTTCTCGTGCTAAATCAGAAAATTTT
>EP78440 (+) Dm IF3B; range -499 to 100.

CTCCGATCCCGTTACAACCTAAGTTGCTTTTTATACCATTGTGTACATACTTTTGTACAA
AACATGTAGATTACACAAGACATGCACTTCCACATGAACCTCCAGGTTAAGCAAAACGGA
ACGGAACCTCCCTTAAACATGAGATACATACGTGTATATGTATTAATAAATCATTAACTTC
CACTTAAATATGTGTTTTATTATTGGACTTTATTTGTTGCGCAGAAAAACAATTTTGA
GATTCTATAAGATTTTCAAGATGTTTGAAGCAACCCAAGACGTAAGGTAAGTAAAGTGTTA
AATACCCAGCAAAAGTGAAATGCGAGTTATTGCAACTTTAAAAATAAAGTGTGTAAT
TCGAATATTTTCTTCGCGTAACGGGAATTTTGAATGGAATTCAGGAATACCCCTTGCGAG
ATTCCACACAATGTGACCGCATTCCGTTTGTTCATCGGCAATGCGAGTTCAGCACT
GCGGTACACCGAATCTTTCTTTATTAATAAAAAACACGACGTCAACTTGCGAATTTT
ATACAAATTAGCCGTAGAAAATGTCGCACCTCGTGAATGGAACGCGCAGAGCCAGA
>EP78441 (+) Dm CG4291; range -499 to 100.

TCCAGTCAAGAAGTTCAAGGAAAAGACGATTGGCGGTCTGGATGAGGAGATAGCCGCCAC
TGCGCCCGCCACGTTCAAGCGGAAATTCATCAGGAAGGGAAACAGCCGCCAGCGCGCCGA
GGATTAAGAAGTACTCCATGTGCTTATGTGCATATTTACCTACTAGTTAGGTTTAGGCA
TAGGAAATGTTTAGGTTTTAAGTGTGTTGCTTATACCAATTAAGTGAAGTGCCTTTA
ACTAATATTAGATTAAACATAGCTATTGTAGAATTATTATTATCTTTAGTCGACTTGCAAT
TCAATAAATATTTCCCAACATTTTAAATAGTAATATGTTTTTAAAAAGTTTTAAATTTT
GATAACAGTTATCGAATTAGGTTCAATCGGTGTGTGCTGTGCTTTAGTTGCGGCATATT
TAGGTCTTAGAGCTCCGTCCAATTTTAGTGCAATTTCCAGCGGCAACACGAGGTATGTTT
TCCCGTCCGCAACGCTCACTTCTGCTGTTGTTGTAGGCGAGCGGTGGAATTTGCGT
CGGAATTGTGTTGAGTCGAGTCGCGCTATTTGTTTCGAGTGCCTGTGCTGTTTGTTT
>EP78442 (+) Dm CG18811; range -499 to 100.

TATAAAAACAGGGAACCCCGGCTGCCCTCTATTTTGGCAGCACCGCGATGCTTGGGCC
CCCCTTGGGGCAGGCACAGCGCATGGTCATAGACTATGTTAGGGTTTATGCGGAGTAG
CTGTGGCATTGTACCAAAAATATAAATAAAGTACTTAAACATCAATCATCGCTTCATAT
TCAAAAAATGTTTCTAAAGTCGAAAGACATATCGATTATCGATACCAGGAATTGTGTTCT
TACTGCAAAAGTTGTTAACAAGTAAATGCTTTTCAAGATTAACCTATTTCTTCCAAATC
TCACAGTGTAAAAAGTGAACGAATTGAAAAATTTACACGAAAAACATTTGCAACTCCTTAC
CACATTTTCCATATCGCACACTGCAATCGATTGTGCGCCGCGAGCGGCAATGTGCATCGTA
TCGAACCTGCTAGCCCAAGCGGCATCGATACTATCGAACGCACATCGGCCCCGAAAGCCAGC
TCTAGTTTTTTTTCCCGAGAGGAGCAGACAAGCGAACTGGACTGGGAAACAGCAGCAGC
AGCAGCAGTCGTTTGAATTGAATATCATTTCCCATTTTCGAGCTAAACGTCGTTGAGAGCC
>EP78443 (+) Dm PONT; range -499 to 100.

AATTCCTGGCACTTTTCGGCCACAACCTCATCGCTGTGAAACTCTCTGGTGCTCCCAAA
ATTCCTTGTGTCGTAGGCTGACAATCCATCCGCGTAGTTGCAGCTCATGGTTTGATAA

AAGTTTGATCTACTTCAAAGCGACTATTATGTCTTTTTGGTATTAATTTGTTTATATTT
TGACGGCTAAATGAGTCCATCGAGATTTTATTGTTTATAATATGACCGTATCCGTAACG
CTACAAAATACTTTAAACGTGCCAAGTGAATTAACACTGGTCATTAAAAAAAAGTATAA
GGTGTAATATAATTTGAGCTTGGTAAAACTAAATAAATCTCAAATATCTTAGCTTACC
TTGATTAAATATAAATGTAAAGTATTAACCTAAAAATTTTGTATTATATTTAAACATT
TATTATAAATTATTTTATTTTCTACCATGTGGTTCAGTGTACCAAGCAACATGCTTGGAT
TTCCAACCTCGCACGGTCACACTGTAAACAACGGCTGCGGAAACAAAGTGTGCTTCTAATT
TCCAATCAAAACGCCGGCAGAAAAACAAATTTTATCCACGGCAACGAAACAATAGTTTGT
>EP78444 (+) Dm CG5862; range -499 to 100.

ATTTAATATTTAATATTTTCTCATTCGGCACGCATCAATAAAAAATGTCTTCAAGAGTAA
ATAACAATTCAACATATGTATACATATAGCGGGATATACAAATATAAGCGGAAGAAATTTA
GCTATTTAAAGCGGCTTTCCCGCTAAACAAGCTTAACGACAAAAATTGTCGCAAAATTTTG
TATTGGCAAAGTATTACAATGGATGAAATACCAATAAATGCGCACTTCAACGCATTAAG
AAGACACCATATGCTTTTTATGTTTATAAGCTTTATTTTTTTTTAGTTTTTGTGTTTTT
GTATTCCTTATTCTGTCGTATATCAAAAGGATTTTCTTCAAACAGACACTTTCGTGGTGC
GATTTCGTAACCTACGTGGTTTGTGCTAGCACTGATACCAACAATTACTGGACATCTAATT
AGGCTACGAAATAGCTAGTTGCCAGCACTGCTGCCAACTCATAGTCGCTATCTTGACCC
ACAGTCATATGTTTATTTTGTGTGACGTTTACCTTTTGGCAAAAAGCATTGCGTGCACCAG
GCTAGGAAGCCTCCCAACGTATTCGCAATGGATCTGATCATTCTCGTGGGGATTGCCGTA
>EP78445 (+) Dm GCLM; range -499 to 100.

GCGTTCAATGCTGTGCTACCCCGCTCCAGGAATTTACCAATGTACTTCTCCATGGTCAA
TAGCACCAACCAATCGCGCACAGCCGTCACACATCCTAGTTCCTTATTATAATCTCT
AAATCTCCAAATTGAACACTTTAAACAACAGTTACAACCTGGAAACCGTTACAATTTACCG
GTTAGATATGACATTTTAAAGCATACGTAATCAATAAAATTGTTTTATTAACCGGCTGCT
TTTCCTTATTAATAAATAGCTACCTAAATATATAAGCTTAAAATACAAATTTTAAATAC
ATTTTCAATGGTCATGCTTTTATGAACAATGAGGGCACTAGACTTATTAGTTGGGCAAC
ACTGTAATTATTATTATACATTGCAATTTTAAATTGTATTTTCAATTTGGATCTAGTACCCC
TGGCGGCGCATGGATACCTTTTCGATAACCTTATCGAAGCCAATCGGCCAACGTCCATCAC
CAGCTGTCAGCAGAATTTATTTCTCTCTCCACACTTCGGTGCAAAGTGTATTTAAGTGGC
CAAGCGGTGCGTGCTCGAGAACACACGCGTTTCACACACCTGAGAGGGCTGCAGTTGTCT
>EP78446 (+) Dm CG14243; range -499 to 100.

GCAGTGACCGCCAGCCACCAGATATTATCGCCAAAGCCAGTAGCTGTTTATTTTCCGAGC
ATTTCAACACAGTGGCTGCCGTTTGGTCCGTCCTGCAAGCATCCAGATTGTGTTTTTAT
GGCCTGTGCTAGCCAAACACAAATAGATAATGTAGCAGTGTGCTTGGCGTCCGCCG
CATTTGCAATCACAGTCCCTGATATCCCATGCATATTTATAACCGTCGCAGAGTGCATTA
AAATCAAAGCCAAGACAAACGATCGCGGGCTGGCGATAGGCCTAGGTGCGGGAATACGCT
TGCATATTTAAACGGTGGGGCATTTTAAATGACTGTGCAATAGCATCGAAATCAAATCAAC
AGCGCTGCGACAGCAAGGTCGTTTCGTTAACAGGGGATTTCTCTATCTACCTTGCCAAAA
ACTGGGTCTATTTCTGTTGGGAGGGGTAATGCAGTGCCGCGTCTTCACTATAAAAGCCAG
ATTGTGCTGAACTCCAGCATTAGTTTCTCTCTGTCAGCTCCATTTGTACACAGCTTCCAG
TCACCATGCGTGCTTTTATCGTAAGTGTCTAGAAAATAAGGGAATCGAATAATACAGTAT
>EP78447 (+) Dm KRZ; range -499 to 100.

ATAAAAAGCCTTTAAAAAATAAAATAAATATTAAACAGTTTATATAAAGTATTTATTTAAG
ACTTAGGATACAATCTATGATTAGATATTTACCAACGGTCTGATTTTACATGTGTTTATA
CATTTCAAATGGTAAGTTTCTCAATCATCAGCTATGAATCATCTGTTTCTAAAGGAATT
TATAATATATATATTATATTTTCAATAAAAAGCCAAGTCAACCTGCAGTTGCATTTTATCT
TAGTAGGAACTTAATGTTAATTCAGCAATTGTTAATGGTATTGAAAGAAAAATTATTA
AAAGTCACCTACTATGGGCCAGGGCACACTTAGGAAATATAAATAGGTGCCAAAAATGCA
AAATAAATATTAATTATAGGCTGCGATTATGGTACGACCAACATATATCGGTTTGTTCG
CACTGAATTGAAATACCAGAGGAATACATAATTTGTTAGTATGTAATATTCCTCGGTATT
TTTCCAATGACTGTCAAGCAGTGCTGGTAAATGGCGGAACAAAGTATACACATAAAAAATT
AAATTGCAGCACAAAGTCCCGCAACGCACACATATATTTATTTAACGGAGTTCCAATTAAG
>EP78448 (+) Dm EG 25E8; range -499 to 100.

ATTTAATTTTAGTTAATTTTTATTCTATCGAATTGTAATATAAATTACTCATCGTGTCAA
TAATCTCAAGAAAAAGAGTATACAAAGTATAGTTTAATAACGTGTCAGCACTTTCGTTCA
AAAATTCGGTCATCGCGGAATGCTGAGCTATCAATATGTGGGTTGACTTGCTGCCTGAA
AGAAAAAACTTGGAATTGCCAACTACATATGTTATAAATTCTAGATTTTCAATGAGTAGG
AAAAATCTTCTGCTCTTACATTGACCTTAAACCAAGTAAGGGTCATAATCATTTAGTGT
ATGGTTTTTCATTTGGTGTGTTTGAATTAATCACGAAATTTTGTACAAAAAGAATTTAATT
GCACACAATAAGTATTTAAATTGTGGCGGTCACTTCACTGCGATGTGGCAGCGCCTGCCT
TCCCAAGTGACAGTCTCTCGATTGTTTTATCGATTGCTATCGCCCGGTGCAATCAACACG
TCAACGTTTTCTCTTCTTCTCGTGTGCCGCTGCTTGTCTTCTTAATCGCGGCGACTC
TGTTTTTTACTTAACAACCTCGAATAGCAGTCGACGTTGTGAATTGAATAATTAATAAATA
>EP78449 (+) Dm CG1636; range -499 to 100.

GGCCTTGGGATTGGCCTGAAGGTTCTTGAAGTTGCGAACGTACCGATGGGTGATGTAGAA

CACACAGTTATCCTGGGTGAGTCCGCGGTACAGAACAGTGCGGTTGAGCACACCGAATTC
CTCGTCCACGGTGGCCAGGTTTCATTTCTGTATGAATCCATCGGGATGTCCCTTGGCAGC
TTCCTGAAGGATCTCCTTAAAAAATTCAACGGGATCGGAGGGAAGTCTCGATTTTGGC
CAAAGAGGAGGTATATTGGTGGGTCTTTGAAGCGAAAAATATTCTTATACATTTTAAAA
ATGTAATACACATTTAATGTTAATTGGTAAAGCCCTTATAACTGAAGTAATGTACTGTC
ATTCAAATTTGGCGCACTTTGCGCGCTGTTAACGCTAACAGCACTGTAAACAGAAGCGCAG
TACTTTGCAGCGGTTCTATAATCGATAGCCGTTGATTTTACGTTATATTTGCGAAGCTAT
CGGTTACTATCGATACATAGAAACGAAACAAATTCTCCCAATTTTTCGGCTGAAAACGAGG
AACACCAACTCGCGATTCTGGGGCGGCAGAACGGGAAATCCCGCCGAGGAGCAGCATGAC
>EP78450 (+) Dm CG17259; range -499 to 100.

TCGAGCGATTTCGGCCGCTCCGGGTATATGTCAACCCGGATCAGCGAGTTGGAGCAAATAA
TGATCTTCGTGTGCGGCACCTGCTTCTCACATTTTGCTCGGAACCTCCGTGACTTCTGGT
CAATAAAGCTCATTGTTGAAGTCGGAATCTGTTGCGAATTGCTGCTGTTCTCTCTCTAT
TGGACTATTTTGAACAGCTGCTAAAAGCAAGTAGTGTGTAATTGCTGACATGTATGTT
TCAAATGATGACGAATAAAGTGTACGTTTTAAGCGATATTTATATTGTGAGTTATGTTAT
TCTGGTTATAAAGGGTATTTCTTATGGGAAATAACTAAACAGAAAAATATAAAAAAACATT
ATAAAATCTTGGGTAACTTTTTCAGAACCTTAGAAAAATTTGATGAGTCACAAGAATGA
ACTTCGTATATAATCTCAGCCAAAATATGCACCTTACCACCATCGCTTTCCAGCACTGCCCA
GCTGACGAAAAGCCTAGCCACGTTGTGAAAACGCGACGAAAACGCGAGAGAATCGAAGCT
AATACGCGACTGAAACTGAAATAAAGGGTAACTAAAATGGTGCTGGATCTGGATCTGTTT
>EP78451 (+) Dm GAL7; range -499 to 100.

AAATTTCTCTCGGCTATCATATACCTCTTACTTAGCTAATAAGTTTTAAAGAAATTAGATT
ACAGTGATTGCAATATAGCTGAATAGACTTTAGGAAACAGTTTGTTCATCACAATAAT
TAGGCAAACAGATACTGCATAAAATATAAATAAATACTTATTTAAACATTAAACAG
CCATCTCTATGGACGTCTTATCGACCACCGCGCATCACTAGCGGCACACACAATCGCGCT
CACACTGTTTACACACCCATATCAGAACGCCAGCTGAGTGGGAGAGATAAGGCTGATGG
AAAATTTCTTCCACTGAAAGGCGGAATGCGTGCCAAACTCAAACGCTCGCCGGCAG
AGTGAGCGGAATAATCCGAAGAGAGAAAAGAGAGGAATGTAGCTGAAGAAGCGCGCTTTG
CTAAGCGAAAAACAGCTCAACTGGAATCGGATTGAGAAGCAAAAGCAGAATCACAATCGG
AACACCAATATCAGCAGCATTAGGAGCTGTAATCGCAACGCGGCAGGTTGACATTGGGCT
TGTCCTGTAATCTGAAGTAGTCATAATCCGATCGGAGTGATACGGAGCGCCAGTCTTTC
>EP78452 (+) Dm NMD; range -499 to 100.

CATTTTCATTCTGCACGACAGCTTCATTTGCGCCGGCGGTGAGAAGGACAAGGACACCTGC
AAGGGTGATGGTGGCTCCCCACTGGTGTGTCCAATTGCTGGCCAGAAGAACCCTTCAAG
TCCGCCGGCATTGTTGCTTGGGCGATCGGATGCGGCGAGGTGAACATTTCCCGGAGTGATC
GCCAGCGTGGCCAAGCTTCGTCCGTGGATCGACGCCAAGTTGAAGATTTGGAGTATTGAC
CCCAGGCACTATACACCCTAAGAGCAAAATTGTCACCTGAATTTGTGGGTTTTAATCTTC
ATGCTTCACAATGCTCTCACTTAATATATGCCCAATATGTTAATACTCAAAATTAAAAAA
AAAAAAAATCTTTTTATTTTAAAGCTGAAAAAATATTTTCGGAACAGTGGAAGGAATAG
GCTAACAAAAATGAATTCAGTTGGCAGCAATTTTGAGCTTATCGATGTCAATTTTCAGTC
GGAGCACCTGGTCACACTGTCGTGGTGTGCATGGGGAATAAGAACAAGAAAGATTAGAT
TCGTGCAGGCCAACGTATTTGCTCTAAATAGAATATCTGCAGAAACATGGACAACCTCGG
>EP78453 (+) Dm CG6453; range -499 to 100.

AGGACTCGTGTCCATTTGGGCTTGAAGGTTTCGCCCTTCGCTCCGGATAAAGGTCGTAG
CCCCAATCCTTTTGGAGCAGTGGTGGTTTCTTCGGTGTCTCGTCTCCTTACTGGCAGATGCT
TTTTAGTCTTTGCATTTTGTCTTCTTGCCTGCGCCGGTGATGGCTTCTATTGCCTCG
GGCGCTGTTGCCTCTTTGGCCACACTTTAGTCAGGAATCCATTATTTTATGGGCTCTA
TGATCCTCCACTTTTGTAAATAACAAACCGGCAGCTGATTTGGCAGCGTTGCCCACTG
CCGAAAAGACAGTTGGTCAGCAGTGCAGTGGTCAGGTGCTAAAAACAGCGCGAAAGTAA
TTCTGCATCATTAACATAATACGTGAAATTTTCAAGGAATTTAATCAAATTAATAAAGCA
AACCAATTTCCCGTGTCGGTCATACAAACGAAATCCCTTCGGCCATTTCAAATCCCGCC
ACTGCCCCTGTCTATCGATAGTTGTCTCTATTGCCATCGATAGTGTGACCCGGCATTTT
ACGATTCTGTAATAAACCATAGCAATTCACGTAAGATTTACAGCACTCGGGAGGCAACT
>EP78454 (+) Dm CG1869; range -499 to 100.

GCCGCTGCTGCTACTGCCCCATTGCTTTGTTGTTGGACTGCGCGTATATGGCGTCGTACG
TGGCGGACCTGAAACTGAAGCTCAGCCGTTGTCAAACACAAAACACCAAACACCAAAGCA
ACAAAAACCGAAAAAACCTGCTCAATCCGGGGGCCAACTAAGCTTAGCTATACTCTC
CGCTGCTACAATACATTCAATGCACTGAGGCAAAATATTGCAAAATTTTACAAAAATATCG
TTCAATGTTTTTGGAAATATTTGTAGATATTAGATAATATTAATTTTTTGGATTATTTGT
ACTGCTGTTCTATCTAAGAAAAAGAATTTAATTTGGCCATTGAGCTGGAAGGTCCTACTGC
CTACCACAACCTATTGATGGCCATTAAAAAGATTTTGTAGACACTAATATTTTCTCCCA
GTGTCTACGCCGACGTGCTGCCGTGGCCGTTGTTGTGCTGCGCTTGTCTTCGACGCTGG
CGGCGGCAGCGCTCGAATCAGTTTTCAGTTTTTTCAGTCCAACGTGCGAGTTCTGAAGCGACA
AGCGGTCCACTTCGCCTTTCTGGGGGCCAGGATTTTTGAAAGTGACTAGTGACTAGTGGC
>EP78455 (+) Dm CG11459; range -499 to 100.

TTGAAAGCACGAGATATGGAGCTGGACGGATGGTTTTTCCATCTTAAGTCTTATAAATT
TAAATCGATGGAATCGACTATCCGCTACCCCTTTACTTAACTATTGCGTGATTCTTGATTA
GTTTCATATGAGTATATTTATATTATAAAGTTTTTTTTGATGGTCTGATACTTTTAAAAATA
ATATATTAACAAATTCATTTTGATTACAATGTTTGAATGTATTTTATATAGATAAAT
TTTCAGTAAGTAACTTAGCAAGCATTATAGCTAATATAATTATAGCTATTAGAAGTAAC
TTACAACCAGCCTATAACCAGAAACCATATAAATAAATAATATAATTTTATACATAAGCA
AAATATTGCATTTTAAATCGTAATCTTTTCCAATTTCCCAAAACCAATAAGCAGTTCACAT
AAATAACCCAGATAATGCATTTCGAGCCGCCAGGCAACATAAAGCTCTTGATTCTAG
TTTTTCCAGCTCAAATCATTACAAATCTACTTTAAACGCGATCAGTTCGCAATGGGCA
CGCCTCGTCTGACCGTAGTACACGGTCTAATCCTTCTGCTCCTTGTGGAGCTAGGTTTGA
>EP78456 (+) Dm MTX1; range -499 to 100.

TTTTTGATCATATGGCAGGGGATTTGATTGTCAGTCTTGCACTTACCGTCTCCTTGTC
AGCAGAATGATTTTCATGCCCGGTCCCGACTCGGAGCACATTTCTCGATGTACAACCTA
ATGCCGCTTATCAGATTTCAGTCTGCTAATAATTTACTGCGAAAATCAGAAATTAATGT
TTTTTTTCGCAACAGATGGGTGGAGATGCCCAATTGCGATAGCTCCGTGATAACAGC
GGTGACCAACATTTGGGTAACTTCGCTAGATCTAGCTAATGTAAAAAATGTGAATAT
GTAAAAATGCATATAGATAAAAACTTACAATTTTTTGGTAGTATAATAAAAAATAGCAATA
AAGATAAACATAAATAGCAATTAAGCTCAAACATAATTCGTATCTTTTTCATTAGCCAAA
ATAAACTTCGAGTAGCAACATCCCTGGCCGGCAATCGATAAAGCGCCGATATGCTCGAGC
GATATATCGAGTGCCAGTAGTTATCAGTCTGAAGCACTCGCAGCAGTCGGCCAGAAAT
CTGGCATATATTTTGGATTCAAATTCGGATGGCTGATATGCAGGTGGACTGTTGAAAAAC
>EP78457 (+) Dm CG7262; range -499 to 100.

GCTGGCTGAATCTGGCTGCCCTCGGAATCGGATTCTCCGGAGAACTGTCGCTCGCAGG
AGCATGTGCTTTTTTAACACGCTTCTCAGTCAAAGAGCCATATTTTGCAAGCAGGCAAG
TGGATCCAACTTAAAAACAAAACAAGCGTGTTCACGTTTTTAGAGATGGCAAGTGG
AAACTACAGGTAGCACTATCGGCAAACTATTAGCAACTATATTGAAAAAACTGAAAAA
CTAAAACTATAACTTTGATAATTATATATATATATATATACATATATATATATATATA
TATATATATATATATATATATATATATGAATTAAAGCAAATATAAATATATGAATAAAG
CAAATTTTCGAATATGCTTTAATGGAAATAATATTAAATTTATTTTCATATTCATTAAAT
CCTTGTTAATCTATTATACAACACTAGGAATTGCTTGACAGGCGTACCGGAATCGATAC
TGTCATCTCTAACACAGTTGAGGCGCCAACATCTGGTCACACTGATCTTGCCGCTGCTTT
TGGACTCAACTTTATTTATTTGCAAAAAATGGACCTGAACACTCTGCTGCAGCGCGCCAG
>EP78458 (+) Dm BCDNA L27979; range -499 to 100.

GGAAACAGGCTCGTAGTTCCGTCCAAAGCAATAGTTCAAGAACTAGTAATTTAGGGATGA
GCTTGCGGGCGTGATTTCAAGTTTCAAGTAGTTCAAAATATCGAATACATTGAAGGAG
TGCAAAATGCACCTTAATTAGGGCAGATTTTTCATTGATCAGTAAAATCTAATGTTGTTGA
CTTATTAACAGTCGTGGTAAGTCCCAAACGAATAAATAAATATGCAACATACGAAAT
TGGCAGTGGTTAAATCATCTTTTTTCTAACATCACTGTAGCAAAATGCAAACTTATAA
ATTTAGACAAATCTTCAGTCGTTCACTTATGAAAAAAACGATGAAAAAATATATAT
TTTAAATTTGCATGTTAATCCAACATTTGTAATATGATAATTTTATATGCGAGCGAAA
TTGATGTATTGTGGCGATAGTCAGAAAACCATCGACGTCAGACTATCGATAGTACCATCG
ATATTTTGACAGCTATACTGCTGAGGTGACAACCTGTCACTGACAAGTCATGATAATTT
TTGTAAAGCAATAGATTTATCGCCATGGATGACTCGTTTTTCGGCTTTGACACGAATCTA
>EP78459 (+) Dm CG1440; range -499 to 100.

GGAATGCAGATGCAGAACGGCTGGTTTCAGTTGGGGGCTGGTCCAAACGCTGGCCTCGTC
GCCTGGCTGACACGAAACGGGTCCACCGGATAAATTTTACGTCGGAGTCTCAGTCTAC
TGCCTCTTATCAGTGGCAACTTTCACTTTTAGACATGAAAAACAACAAATTCATCACAA
CGTTTTACGAAGAGAAGAGCACGGCGGCAAAAGATCCAGCTGATTGGGGTGTGTCATAT
GGGTTTTTGATAGGCCTAGGCCTAGGTCCAAACGACGTCGCCAGATCAACAGATCGATATA
ACAGTTACAGTTTGATTTTATAAATTAATACGCTTATATGTATGGAACATTTATGAAATTC
GGTGATTAAAAACAGTGCTTAATAATTTAAAGAAGTTGGTATATTACCGGTATATCGTAT
GGCAATCCAATGTGGTATTAAGTATATTTTTTTGAAAGCCGGATGGTATAAAGAGGG
TTCATTGTATGGTCATACTATTAGGAAACAAAAAAACACTCCACAGCAAAACAAAATAA
AATCAAATTAAAAAAATTATCCAATTTGCGCATAGTACGACTGCAGTAGCCAGAAGTGGT
>EP78460 (+) Dm FMO-2; range -499 to 100.

TCCTTACTTACAGTCGTAATTTCCGGACATGAATAACTTTTAGAAACAAATCCATTGTTT
AGACTCATTGTAATTTCTTATGTTGTATTAGGAATTGGTAAATTTATCATATTTTTTTT
TCTATCAACGAGTATTCTTCCGAAATATCCGCGAATCAGCAAGACTAGCCCATAGTTT
CTCTTAGTGAGGCTTGACTGTAATCCCGATCGGCTGACGGCGGATTCCAGACGCTTTAG
AACGGCCGATGCCGTGCCAGCGTCTCTGTTATGTCACCGGCAACCGCGAGTGATAAGGC
ACGGGTGGTGGATGAAACCGACTGTGCAACTCTCCTTACCCTTAGGGTTCTCAGGCC
ATGCTAGTCTGTTATTGCCGTGATGAGGGAAGCGACTTATCAGCGGCATGGCTCTCGCAA
ACAACCCAGCACACTGACTGTAGCGCACATAGTGACGCTTCCCGGGTCTATTATATCG
CTGGGAGCTCGAGCCCCCTAGTTAGTCGTTGGTCAGGCGAGGAGTTAGACGTGTTAGAGG
AAAAAGAACTTTTAAATTTGCTACCAATTGGGAATCCCAAAATGATCAAACTTCAGT

>EP78461 (+) Dm RNRS; range -499 to 100.

ATTTCCAAATAATTTCGAGATTTCAAAAAATAATTTTAAGTCAATGTCCTTGGA
AAAAATTTTAACTTTGTTCACCTTGATTTTTATCTAATTGTAGCAAGAGGACCAAATT
TTTTCACTCAAACTAATTAAGTGGCGTTTCATCAGCTGTTTTCTGGATTAGTCTAGGGT
TGTCTCATTGCATGAAATATCGATGATAAAAAATTTCAAATTTATTTAGTATTTGAAA
CTATTAATATTAATTTTTCAAGTGACAAGCTGGGAAGCTAAACATAAAATTGTGCAGT
AAGGATTCGATTTATGGTTTAAAGAAAAGAAACTACCACCCATAATTGCATTAGATTTA
CCCTAAATTTATAAAAAAGTGAATTGACGCACTCGACAGCCCTGATTTTCCCATAGTTTTC
CCATCACCAAAATGGCGGCAATCGAAACAGTTTGCCGCCCGGCATAAAACCAATGTA
GCTGTATTTCCAGATCATTTGCCACACAACCTTTCAAACGTACACTTAATACACGTCGT
GGTTTAAGTGAATTTTACCAGAGAATCAGAGAAGCGCCCTACCTGCTAATAATAATCCA

>EP78462 (+) Dm BCDNA GH10614; range -499 to 100.

ACTCACCAGGCGCTTCGAAAATTCCTTCACCTTGTCGACGGTGGCAAGGTCTGGTACATT
GTGCCTCTTTGAATAACAGATGTTGTGCCGCTTCAAAGTGTTCCGTCTCCAGAAAGC
TCCAGCTCCACTCATGCGCCCAACAGAAATACCCAGGCAAGCTTTTACTGGTCTCGA
AGGTGTGGTGCTCAGTCGGAATTTCAATTTATCCTGGAGTCATGTAAGTTACTACAAAA
TTTCGGTGCTATCGGTACTTTAGTAATATGAATTTAAAGTTAATTTGGAGAAGATATTA
TATGATAATCAACAGCTTATATAAGTTATATAAATATATAATATATAAAGACACAAAT
TAAAAAAACCGTTTCAAGTCATACCATAGATGGACCTTATCTTCCCGCCAATTTTGGC
CAGCTTTTTCGAGCTTATCAAAGCTTTTTTTCAGAACTTTGTGAGAGGGCACACCATCGAGA
TTCGGATTCACTTCGGTCAGTCAGCAACAACGTGGAACGGTCAAGATGTCCAGCAAAA
TTCCCTACGTAAAGCACACAACGGCACCCAAATCCAGTCCATCGGACTGGGCACCTATA

>EP78463 (+) Dm CG10590; range -499 to 100.

TTCTGTAGCATAAAATAAAATATAAATGGAATTTTAAGTATTTGGTACTGACTGTAGGTT
CCTTAAAAACTATTTGTGAGATACATTCGAATAGCCCGCAAGGTGATTCGCTATGCGA
TAGTTGGTATTTTTGTAACGTTTTTCCCATCGATACGTTCCAGTCACGTTTTCGTTGGC
ATTAGAAGTGGAGAAACATCGATGTTGGCGAACATCCATGTTTTCGATGTCTTTGGCAAA
AAACAAATAAATTGATCTTTAAAAAATACTTACATTTAGATATTTATCCATGTCTTC
CAAGACACCAGCTACACCACCGGCGAGTCACAATAAATATGCAATATGCTATTAATAAT
TGATTAGAAAAATGGAATTAATTTAGACTTACAATTTACACACTTTGCTGTTTCTAT
GCGCTGAAAACATCGACGATTCTCGAAAAACATCGACGTTTTTGATTTTTCGAAAACAT
CGATGACATCGATGTTGGCATCGATGTTTCTCCACCTTAAGATACAACCCATAAATATT
TCTGCTGTCGGCAATCTGAGTGTTTGCCACAAAACGTGTTGAAAACGCAATCCAGCGA

>EP78464 (+) Dm CG10103; range -499 to 100.

GAGTGCCCCGAACCGCCACCACCGGCTCCTCATCTCTAAGTGATTGCGTTTCGAGTTTTAG
TTCATATATATATTTTCGAGTGGGATACTGATTCCGCACACATGTAACACTAACACACTCC
TGCTATTAATCAAGGTTGGTGCAACTTTGTGGTTGTGCTGGTGAAGAACTCAATTTCG
CCGAGGATTCGAATCGAGCTGGGCGCCAAACACAATTGCATAGCGGCGGCGGCGAAAT
GGCATCGAAAAATGGAATGGCATATTGTAACTGGATACTTGTTAAAGGTTTTGTGTT
ACCGAAAATTCAACCAATAAAGCTCAACAAAATAAGCCGAACAAAACATTTTAGAAAATA
TTTTAAACGGTTGTTAAATTAATTAATTAATAGAGCCAAGCAATTTGAAATTTCA
ATGTTACCTTGGTATTTAAGGGGTCTGCATGTACGGTCACACTGCACGTGACGTACATT
GTTTTTCCATACCGAATTAATGAATCACCCTGACCGAATTTCTTGTTTTCAACATA
ATTCGGAAGTCCAGGTGTAGTGAAGATGTTTTCCAGCGCCCCAATTACAACAACTGA

>EP78465 (+) Dm CG7483; range -499 to 100.

GGGCGGAAATCTCGATAACATCCGGAGGATGGCCGACAGTGCCAGAAAGAGGCCCTGGA
AAAGCGCAGCCTTCTGAAAGCGGCCAGGATGCGGGTGGAAGAGCTCCATAGCTGCATGTG
CGAGGCTCAGAAGGATCTGGAGCGAAATAAGCAGAGCGCTAAGAAGGCCAACGACCCGC
CAAGGAAGCACAGCAACGGATCGAAGCTTTGCAAAAACCTGGTGAGCAGGATTAAGATGCT
GAAGCGAAAGGATCTTCAGTCGCTCGAGAACTTCTGCGCAGGAGAAGAAGTAGCACTCC
GGAAAAAACAAGTTGAGTTTTCTGTTTGTATGGCAATAATCATATTTATATTTATAAA
ATACAATAAATAAGAACATATATTCATTTAAATTTTTTCCGCCGATATCAGTGTTGCC
ACTTGTCGCAAAATAAGTGAAAACATATCGATATCAAATTAATCGACGCCGATTCAATA
ATCGATTGTTGCTAAGCAATTGATAGGCCACCCCTAGTAAGCGGACCGCATTTTTTCTG
TGAAAGTCAGAAAAATTAGCCGAAAAAGACTGTAAATATTTATTAATATCAGCCGAAACC

>EP78466 (+) Dm CG18012; range -499 to 100.

AGCTTGAAGTCCCGCTAGAAAAGTGCCGCACTCACGAGCCGCGACGTTACGTCCATACGA
ATCCGAATTTGAATGGAGAATTTCAGTTTGAGCGGTGTGGTGTGACCAGTCACGTTTACTG
CAATTAAGATCATACATACGCAAGCAGGTACGGTCACTCGGCAACTGTTAAGTTATTTT
CCTGTTAACCCTCACTATTTTATTTTACAGTACTGTTAAGAAATGTAAATGCAATGTTAG
AGAAAAATGTAGCTTAAATTTATGCTATTTTATCACTTCATCTTTGAAATCTAAACAG
TATATATATTCGCTCATATAAATCTAAGAATTCGATTACTCATCTTAAAAAATTAATG
AAATAGAATAGATGGATAAAATGATAAAATACCCAAATTTTTAAACAGGTAGTAAATAA
ATGTTGAAATGAACCACCCTAACATAGCGCCATAATAGCAGAGTTCGAGGCATTTTGCA
GCGGCTGAGTACGGTCCCCTATTCCACAGGATTCAACCGAATCACAACAAAACGCGCA

ATTCCCTTTGATCGCAGATAAAGCGCTTATTTTTCTTGCCAGCGATGGCGGAAGTGCTG
>EP78467 (+) Dm OBP99C; range -499 to 100.

TACGTGATTAACATTGAACAGATGGTATTATATATTTTTCAAACCTATAGTTTTCTA
CCTTTTTAGTTTTCTATCTTTAAATTTTAGCTCAATACAAGGCAATATCATTTAACTCAT
AATCTTGAAGCAGTCGATGCATTTAGATTTACGAAACAGGAAGTAAATTTCTCGAAAT
AATTCAATTGAGGAATCACTTAACCTCAACCCACTGCTGGATTATCGGAAAATCTATTCAA
TAAACAAGTTAATCGGCAACCGCTTTTGCATAGCAAATAGAGCTGAGCAAATGCTCACA
TCGAATCCAAGTCTGGGTCTCATCCAGACTTATCAGCTGGCGGGGATGCAATCAAACAG
TGTGGCTAGGAACTGGACTGGAGCGATGATAAGCAACTGAACTCTTGACATACAGAGCGA
TAGAAATATATAGACATACATATATAGACATCCAGCGATCTGAAGCTATAAAGTCAGGCA
CTTGGCCGTCGGCGCCTCAGTTTCAAGAACCTCAACTTCGCCGCGATCGTGCAACTATAACT
AACTATATCTCAATATGCTCAAGTATCTGATCGTAGCTCTGGCCCTCTGTGCTGTGGTGT
>EP78468 (+) Dm CG10932; range -499 to 100.

AAGTTCCGAAATATTTACATTTTTTTTTATGCAAAAATTTTTTTGAATGCCATATTTTAAA
CACGTATTATTAGCATTAAAGATTCCAGTTTTTTCAGCTGCCATTCTTGTGCAATTTGCA
TTAGTCTTAAAAATAATATTGATGAAATGAGATACATTTGTGTTTTAAATTTCAATTTTC
GTGTTTTTATTTATTGTTGCTTTCGCTTGAACCGTTAAGTTCAATTTACGCAATTTTCAGTG
CTGGGTATTGTAAAAAGAATATATAAACTTAGCATTGCATCTTTACAGCGTAGTTTTCAA
GCAATATACTTAAAAACAGCAAAAATTAATAATTAATTTAAAGAATGCTAACTAATAGAA
AATTACCAGTCGCTTTAATCTTATTTAACAGTTGCCAACACTTTTACCGCGCCAGCTGTT
GCCTATCGATAGACCGATTACCGGTTTGTACGCAAGCAACAGGTCTGGCGTGATTTCTG
ATTGGATTCTTGCCATTTACCTGTGTGATTGCTGTGCTAGTTAATACAAATTAATTAAT
TCCAAGATGTCCGCCGACTGCTGCAGGCCACGCGTCGCTGGAGCGCCCATCGCAACTAC
>EP78469 (+) Dm CG5172; range -499 to 100.

AAATTTGTTCCATTAATTCCAAACTTTACTTAAACCTGCCAAGCGCAAGACTGAAAATA
ATAATTAAGAAAATTCAACAACAAATTGAATGGATGGCGCAAAATGAAAAAGGCAAAATAT
TCTTAGAATTTTCGCATAGAAATAGTAACTTGTAAAGACAAATTGCTAGGCGTTTCGTGGC
CAAATGTGCTATGTGCGCTGGCAATTAATGATGCAGCCATGGCTCAGCAGTTTGCAAGTG
GTGCGGTGGCGTATACGCGATGTTCCAGACAGCGCACATTGCGTATCCGCCGAGTGCGC
CGACGTACTTGAGACTTTTTTAAACCAGACAAGTTGCTGGTGAAGCCAGCCGCTTGCCGC
ATTGTGCCGACATGAAGTGCAGTTCTTAACCTTCCTTTGGGAGCTCCAGCTTGAGTTGA
AGGGATGGCAGGCTGCTGACTCAGCCGAAGTTTCCGCTTTTCGGAGCTATAAAAAGGTGC
CTCGATTCTGGTTAGTTTCATCAGTAATATTGAGCCTCCAGCAGTGATTACACAGCGGTT
CTAAGTCGGTCTAACAATCTTTTTTTTACTATATTTTTTTTGGAGTAAAGAGTTCTA
>EP78470 (+) Dm CG17052; range -499 to 100.

TGAGTATTCTTAAGAGTTCGCTTACAAATACATAGAAGCATTTCCTAATTCTTCCAAGAT
TTCGATGTAATCTCCAAGTCATCTGATACAGGTGACGCCCTCAACACAGTTGATCAATGC
GCGGCCTGAAGAATTCGCGTGGTGCACATTAAGCTAGGGCATCTGGCCAGCGTTTTCCG
GTCCTCGCCCTGGACTTTCTGTTTTTGTGCCATTACATCTCTGGCTCGCCTTTCTTCG
TCGCCCTTTGGAGCCCCGGCTCCATTCCATTCATATCCAGTCCAGCTCCAGCCGAGCT
CGTTTGGCCTGGCTCGGTTTCGTGTGGTAGTAGTAGTAGTAGTGGTGGTGGTGGTGG
TGATGGTAGTGGCAGTGGCAGTGGCGGGGGCGGTAGTGGCCCCGCCATTGGCATCACTC
TGCCCGCAGCCGACGGCGTCTGTCGCTCGTGGCGACGTCGAGCAGAGCCGGTAAAAAGTC
TTGAAAAGTGCGCCCTCTTTGGCGTTCGTTGTTAGTTTAGTTTAAACATCGCAGCGCTTG
AGTCGCGATTAGTTGCTCAAGTATCCAGTTGCCAGGATCGTTGCTCTGCTTTTTTTTTCT
>EP78471 (+) Dm BCDNA RE25411; range -499 to 100.

CCTATCGATTGGTGTGCTGATCCTGGACTTATGAATTATTTAAGAAACCTATGATTTAA
GGAAAAGGCAGCGAGTTGTACACTTTAATAAATCGCAATCTTTTCAGTAAGTTGTGTGT
TGGTATTGGCAAGAAATTAAGTACGAAATTAATGCCCTTGAATGCTAGGAAGTAGT
TCAAAGATCAGCATTTTACTTAAGAGAATCAATAGTACAAGTTGACAAAATGATATAAA
TTTAAATAGTGTATTAATTTTAGCTGAGCAGCAAATCCTAATCCATAAAAAAGTTTATA
TTTGTCTCTTTGAAGCGCTAGGAAATCCATTACAAATTTGCGGAATATAATGTGGGTAT
TAAAGATCATAATTTGATATGAGTTTTATTATAGGAATTTAGCAACATCTATTATTTTCG
AGTAGAAAACATTTTTAAATAAAAAATCATTTTACCAAATTTGGTTTTGTCCATTTGTGC
GTAGTGAAGTGGTGCACACTGTTCTGCTTGGAGCAATTTGGTCTGAGGAAAAACAGAAA
GAAATAAAAAACAAATCAAATGGCCGGACGTGAAGCCGTGAAGCGAGCCGTACAGCAGGTG
>EP78472 (+) Dm CG6907; range -499 to 100.

TTCCAATTTAAAGGTATTTTTTCCAATTGTTTTCTCAACTACCAACAAAAATAAAGTAT
GTCATCAAAACAGCTGTTTTTGTATCGGAGTAAGATGTGCTTTTGGAAAGACCTAATA
TTGGTGATGAGAACTAACTATGTTTTCAAAAAAAAAAAGATTTCTTGGTTTCAATAAAA
AAATTACTTAACTAATACAATTTTAATTAATAATTTTGGGTGAAATTTGAAATTGA
ATTTAAGACCAATTTTTTTCAATTATTCATTTATTTGTACACAAGCAATCAATGAGTTTC
TTTTCTAGTACAACACTTGACTTGTGCCTCTTATATTCTACCAATTATACAACATGAACA
CAAATTTATTTTAAAGCAATAAAGCTAACTATCGCCCTACCCAGAACTTGCGAATTAA
CAGCTGTTTTGACTATCGATACACAATTTGGAGAGTGTGCCCCATTGGCAGCCATCGAGA

ATAGATAATATCGAAAGTATCGAAATAGAAGTTTACGCGAAGAGAAGGAAACACATAGCA
AAAAAGAACGCAAAAAATAAAGGTTAGCGAAATCTGTGCGACGAAGATGACCAGTTTCCG
>EP78473 (+) Dm CG9528; range -499 to 100.
TGTTTTATCCGCTCCGAGAGGCAGTGCAGCCAGTGTGGCCACTCCTATGACGGTCACCT
ATCGCTTAACGGTATTTTCGCGATATTATTTATTGTTTATATCTAATAAATTTAACAAAG
ATACAATTTAAGTCCCATACAACGTCAGTAACGCAACTGATAATGCATACAAATTACGAC
AGGTGTCGCTTTAAAAAAGATTCAAATTTTATTGACTTACCGAGAGATGTCGCATGCATA
GGTATTCAAATTTATCCACTGTTCTTTAGCTTTTCATCCTCAATTCATTTTCGTTTTTAT
GGGGCTTGTTTGATTTAAATTTGTCAAGTTTTTGCATATAATACACTCGGTGTGTACGCT
TCGCATCAGCTCTCTCAAGCGGCCCTGTGTGAACGGCATATTTCAAGTGCATTGTAATCC
CTAGATACAGTAAACCAGCTTCGGTATTTCATCGGATATTTTTCCAGGGCGAATGCCACCT
AGCGAAAAGCGGTACACACATTGGCGTCTGTTAATCAAACCTCGGAGAAAGGCTTTCTCTG
TTTTCCACGGCCAGGCGGTTCTCTAGAACTCTACGCTAGGAGCCAACGGATACCAGACA
>EP78474 (+) Dm CG7967; range -499 to 100.
CAGTCCAAAGAGTCCGTAGGCGAATACGCTCTGCTGGTTGAGGGTCTTGGCGCCGCCAA
ACGCTGGGAGGTGACATTAGCCGAGGTGGCCAGAACGCATCTGCAGTAAGGAGCAGCCGG
TGGGTGAGGCGAACCAGGATGATAAGGCGAATAGTGTACTTACGCCGTAATGGATTTGGTG
CGGACCGGTGGTTGAAGAGCTGCTCCAGATAAGTGCCGAAGAGCGAGTACAGGGGCTTG
GAGAGAACCATGTTGCCGGTGGTGCAGAGATGTGCCTGGAATGTGACTGGTGTGAAGGAT
GCAGGTCAAAGTGCAAAGTCAACTGGTGCAGTGTGATAACAGCGAAAACCAGTTCCAGAG
GTCCAGTGCTTACCTGAGAACTCCAAACGTTTTGGTGCAGATTGCAACTGAGCGCCG
AACCAACAACCTTAGCCGAAGGTACAACTTTAGTATTTTCGCTAGTTCCAGAGTTTGGAA
CTGGGGTGGTTCCATGGCATTGAGAACTGCGATATCTGGTCACTCTGCGTGCTCGTCA
TTTCCATTGTTGTCGGCATAATTTCCAGATCCGTAATTAAGCATAGAACTAAAGATTAA
>EP78475 (+) Dm CG18815; range -499 to 100.
ACGAGACGCACTGCATCGTGGCCAATCTCATTTACGATGGAAAGATTAAGGGGTACATCT
CACATGCTCACAACTGGTGTGTCGAAGCAAAATCCATTCCTCAGTGTCCCTTT
AGTGCATTTTGAATATTGTGAATTTTAAAGAGTAAAGAATCCAATTTAATCAGTGTA
TTAGTTTACTGGATGGGCGATGTGAATGGAGGGCACCAACGATGAGTATAAGACCTGAAG
ACTTTGAATTTAAAGTACCTTCAATTTCTATTTGGTTATAATTTTGGTTTAAATATGTTT
CCTATATGTTTCAAATCAACTATGAACATAATAATATAATTTTGGTTATAAATATGTTT
ATTTTTCAACGGTTTTAACTAATACCACTTTTTAACTTAATCGAATTTGGAATTGAT
ATATATCGATTTTTGTGCTCGAACCGATGTATCGACAGCGGAATCGGTTTCGGTCACATC
TCTAGGTCACCGACTGATCACTCTCTGAACTTTTTGAACGCAGTGCATGAATTGT
CGTAGTTGAGCGAATTTAAACAAATTAACCAATACTTGTGGTATTACCTGGTAAATGAT
>EP78476 (+) Dm CG5295; range -499 to 100.
CTCGTAGTTTCTTGCTAATTCATTTTTTTCATGAAGACGATTTTTTTCGAACTCCGGAC
TAGGGATGACAAAAGTATTAGATGTGTGTAAGTCTGCTAGTGATGTGCTTGGCGCAACTAT
CGGCTGACGGTGCATACTATTATCGTTTAAAGTTTAGGTTGTTAGTAATATTAAATGCTT
TCTTAAATCTAAAAATTTTAAATTTTCTTGACACTTATTCAAATTAATATAATATAT
ATATTATGTCCCAAGAGATAATGTCAAATTTGGGTGCAACACATATACTAGCATATATAT
TTTTGATAGATGTACTTATATATCGATAATTAAATTTTATCAGTTATAAAGAATTGGCAT
TATAAATCGATTTAAAGTCGTAATATCTACATGTTTAGAACAACAAAAGAGTACCCTAT
ACGCACAGCCACTCTAATGACAGTCTAGTTTAGGTGGTAAAGCGAATAAAATGCGGTCA
CACCGCGCCGAATGAATGTATAAAGGGGGCTGCCATCCGAGAGCGAGTAAATAACGG
TTCGCGAGCAACAACCTTTTCATTTGAGAGCGGAGTAATTTTTCCAGCCGACCGACAAAC
>EP78477 (+) Dm AATS-GLY; range -499 to 100.
ACCAAAATTGAGCAAATTATATGGGAAAAACCAGACTGCAATGCTGCGCCTACATAATTA
AAACAAAATAAATATATCGATAACGAAGAAGGCCCTACCCGATATCGATGTACTGGAG
TGCTGAAAAACATCATAAGGTGCTGTTATTATCAGCCGCCCTGTTAGGGACAAGTGATCA
ATGTTGCCGACACGGTAACAGTGATTTTGGGATACCTTAATTTTATCAGAGCATTGTTTT
TAAATTTAATTAATTTTTTAAATATTATTAATAATAATTCATCGCTTATTCAACTATAA
GTAAAGATGAAAGAATATGTTGAAACTATGTTGAAACCAAATATCCAAGACACATTTAC
CAAATATAGCAAATAAAAAATAAATAAACAATAAAAAACAATAACATTTACCAAAGT
CGCAACATTGCGCATCACTGAGCAGCTCTGTTAACCATAATCAGTGTTGTGCAAAGACAG
TGCTGCAAGCCGGCCGACTAAGACTCATCAAGTCGAAATTGCAGCCGAAAGTGAAGGTA
TTGACAGCAGTAGCCAATTGGACGGTTTATTACATAAATTCGCGTTTTTCGGCTGAAAAAA
>EP78478 (+) Dm OAT; range -499 to 100.
GTAAACGCAGGTAAAGACTGTCTCGACTATCAGATACCCCTTACACACCAGCAAGTGTGG
AATTTTCGAGATTATCTCAGCGTAATGTGATCGGAAGCAACAATGATTCCAATTATAATGA
TAGGTATATTTTTGTGATAAACAACAACAATGAAAAATTCGGGACTGTGCAAGCTT
TTAAGCTCTATCAATTTGACAGTGGAATTTTCAAGCTGATTACAATTTGCCGACAAAAG
CATAAATCGAAGCGAAGCCCCAGCTCACGTTTCATCAAGTATCAAATGAAAATGATTAAAC
AGTACAAAAAGGAATGTAAAAACCGAATTCACATACGTACATATGTAATGAGATAAGGCA
GGAGTGATGTGAGAGCGTACATACATATAACCTATAGTGCTACATTACTACAAA

GAGAAGCAAGCTTCCATGGGGTTCTCCACACACTGCTCTCCGGGTATAAAAAGCACCCGC
CCTCAAGCAGCGGACTTTTCAAGTAGCATCAGCCGCGATCCGCGAGTACAAGTGCCATACC
CCATCGACTCGCGAGATACATACATACATACTATCGCCAACATGTTCCGCAAGCTATCAG
>EP78479 (+) Dm BCDNA LD28419; range -499 to 100.
TTATCGGTATGGTATATCGAATATTTACTAAGTGTATCGAGGTTTGACTTTGATACTA
GGCGATAACAATTTTAAAGCGGTATGTTTTAAATTATAATACAAAGTTGTGTAGAGAATA
TCTGACTGCATTATCTTTTAAAAAGATATTACTAGGATTGTAATAAAATAAATAAAT
CAAATAGGCGAAAACTACCGAATCATAACTTAATTTATATATGTATATCAAATCCGGT
TCTTAATCTTTAAGCAGGAAACAATGATTTGTAATAATTTATAAATTAATTAATATT
TACAACTTAAACCTATGCTATTAGTAATGTTACCAACATAATATTCGTTGGTAATTTTG
ATAAGAAAAGTAATTAATTACAGATGTTTGAATAACTCATTTTGGCGCCCTTATTTCAA
TATCCGCAGCAAGCAACAGGTTGGAATGCCGTCTGCTCGTTATAGGCCGCTTGGAACAG
CTGTTGCTGTTTCACTTTGGCTTCGCTTTGGCTGGCCGCTTCTCGAGAGGGCCA
AGAGTTGTGGTGGAGTTGTGGTTCCGTTGATACAGTTATGTTGCAGTAACACCCGTACA
>EP78480 (+) Dm CG4656; range -499 to 100.
CGCACTCGCAGCGAAAAACAACTAGCAGCGCGAATGGTCACACACTTTGGCGGGCTTAT
TTGCTTTTGTCTCATATCTTTTAAATTTTAAATGTATTGAATGCTTAGTGTTCCTTGT
GCTGATTTTCGTTTTTAAACTTCGATTAGTTACGAAGATTTCAATTCAAAGGCATAAAACA
ACGCACATTGACATTGTCAGCACGGTTTATCAGTGTGGAACTTTTGTAGCTAAGAAGA
AGCTAATTAGGAACCTAAATTCCTAAAAGAAGATACAGCCAAAAAAGATTTGGGTCT
AGCCATAATCAATGTAGATGTATTTAAAGTACAAACGATGACAATTTTAAACACCAAAAC
AAGCAAATCCGTTTCAAGCTACCGCCAGCCAAGTCAAATCTAGCTACAAAACAGATCAGC
TGACAGCACCGCTGGATTTTGGGTGCCCCGCTTGTGCGACAAGAATCCGCGGCCAGTGC
TGCACAAGTGCCATTTTTCATTTTATTGTTCTGTTCTCTTCTGCTGGTGCTGTTTTGGT
TTAAGTGCAATTATCCACACAAGTACGCACCGAAAACCGATGCACCTGCACCGTGCACCA
>EP78481 (+) Dm CG5703; range -499 to 100.
AACTGAACAAGCAGAAACATGTATGTATAAATCTTACTTGGAGATTTCGCGCATTATGCCC
ACTCACTCTGCTCCTCGACGATCAATTCCTTTCTTTCTTGAGTTCCTTCTCGAGCTGCG
CCATTTTGGTATCTTTTGGCCAATTTTGGCCCATAAATCTTTGACAAGTGGATATTTT
CCATATTTTGTCCGTTCAATGTTTCCCCCGATAAGCTTACAAGTTTGCAGCTTCAAGTAA
TTTATCGGATATCGAATGCTAAGGCACAGCGATCATTGTTGAAAAGTGCATAGATACTG
AAGTCACAGCGATATATATCGCTTACTGTTTTAGAAAACCTATTTTAAAAAGGAATAAAA
AAATGTAACGTACCGCTGAATTTAATTTAATTACAAGTTTTATTTGTTTAAAGCTTTTT
TTATTAATGTTGTACAAGATTTTAGAGATTTGCTCATCTCTGACGACAAGTGCCAGTGT
TGGCAAACGCTCCGCCGAAAATCAGCTGTAAGCGGTGCTTGTATAAAAAAACTGACAGC
AGCCGACGGACTTCACATAACATAAGAGCAAATTTTCAGCCTTTTCATTATTTTGGAAAC
>EP78482 (+) Dm TTV; range -499 to 100.
CGCCACCCGAATTAGAGATTTATCATTGAAGAATTATTTTAAATTTGAACTCAACAGCTG
TTGTGCGGGCGTTGCCACCTGTTGGAGAAATACAAACAGGAGCGCGCCAAACAGCGCATG
TGCAAGTTTTTCAATCAGTCTGCGAATTCAGCGAAGTCCTTGGTAGCGTGATAAGTTGG
CCAGTACACGCCGAGCTATCAAAACGTTAAGACGCGCCTTTTTCGAGGATATTTTGCAGT
TCAGCTGTTATCAAAGACGCTCGGCGCGAGAAAATTGGCACACAATGGATATATAAAAG
ACTTAGTAAATTTCAAAGTAAATAATTAATAGAATATATGAGCAGTGAAAAGACCATATCG
CAATAATTGTGAATAAAAAACAGAATTAATAGTATTGTTTCAATTCAAACACTAACGCTC
TGTGGCACAGCTGGCAACCCTGTGCCCCCGCTCTATTCGCGCTCTTTTGGTGCTGCACA
ACACCGCGGTGGCAGTGTGCTTAAGTCGCGACCGCGCTGATTTTTAGCAGCTAAAAA
TGTTTTGTGTGTTGTTTAAATGTTTCTGTTGTTTAAAGAGCGCAAAACAAATGTGTAAA
>EP78483 (+) Dm FZR2; range -499 to 100.
TGCACCATATTTCTAGCCACTAATGGTAAGTACTCCACAAACAGAGCGAGAGTGTCAAG
ATTTAGCAAAACATGCGTGACATCGCACATATGTTGATTATTAGATTTAATTTTCATTT
GCACGACACCATAAATGTCCCTGTGTCTGCTGCCTTTAGGGTTTCCTGGTTAATTGAGTT
AACC CGAATCCCATTCATCTGCAAGCGTTGGTTGGTTGGCGCTGACGAAATATAAAGTA
TGTGAAATATTTTAAAGTTGACTTTACTTTGTGACGTTATATCACATTATAATTCGGGTT
GGAATTGGCTAGAATTGAAAAACAATTATTATGCTGATGCTCTTCACTTACTGTCATTT
CCACAAAAAAAACCTTTATTTCAATTTAAAGACATATTCGAAATCATCTTTTCCGATTG
AAAATAGTTCCGAAATTTACGTTTTAGTACCCCAACGAAAAAATTAATCGATTTGCA
CGCAAATGCGATATGAATCACCTGTTTGGCGACTATCATAATGTTTTCTTCTTAGTATT
TTTCGACTTGTAATAATCGGCACATATATTGCGAAATGTCGAGATTTCTTTTAAACAAAAA
>EP78484 (+) Dm CG8814; range -499 to 100.
GACTTTACGTTGGCAGCTTTTCGAAAGCTCTAAAAATAATGCAATAATTAAGCACTTAA
TTCGATTGCTGATTTTTACGAAATGAAAAAGTGAGTGACCGTATGCGCGAACGTTGGAAA
ATACCATGAATAGCGGTATATTCAATGGAAGATGGAAGTCTGCGCTCATGCGATAGTTGA
CTTTGATAAAGCCTATACCTATAATTATACTATACTATACTATACTATTATACCTTA
CTATACCTATATTTACCTATAATTAAATGTGGCTGGAAATAAATAAACTAAATAATCTT
ACTTTATAAATTCATTGATTGGTCTATGCTTTTCCGCAAAATACTAATTTATAATTTTA

TTTATGGACAATAAAAACTTCTTATTTTTGTTTAAATCGCGATATTTCGCGCTCACAAAA
TATCATCTCCACTCTGCACCTGTATCGATACTTTCTGTTGAGCCCTGCGCCACCCGCACA
CATGCACACCTACACACTCACACGTACGCGCTCAGCGATTTGCAGAGAGAGTTTTCGGGT
TTTTGTTTAGTTTTATTTGATTGCAACTCGATTGGAACGACAGCGTTGGCGCAGCACAC
>EP78485 (+) Dm CG5734; range -499 to 100.

TTTAGGACCTTTACGAAAATGTTGACTATGGAGTTTTATATCCCAACACCAAAATCAAAG
TGAAGGTAAATCCTTCGGGCGTGTTATGTAAAAGGAGAAGTTTCAGTACCCAGTTGACT
TGTAATGCAATATGTTTGTGAGATCGCCTATGATAATATTATTTGATTAATTTAAC
CATAACTTGAATTCAACCTTTCTGCGTTAGCGACTGACAATTTAATAAAATATTCTCTA
GTGTATAGGTTCAACATTAATACTCACACAATTTATAATGAATATTATTTCTAAGCCTC
TACAAGCCAATGTTTAGGTTTACATATATATCTAATAAAAGTAATCAAATTAATGAGCG
TATTTTATCTATTATACTTATTCAAATTAACATTTTTAACGAATTTTTGTTTGAAACA
GCTCTTTTTTGGTATTTTCGACGCGCATGGTATTTTGCACGATGCGAGTACGGTTACAC
ATCTGGGCGAAAAGTGAACAATTGAAGTCGCAATTAATTGAATTGAGAGCAATTGCTGC
GCTTAGCAGAGGAGCCGCTTGACAATGCAGGTGTGATCCGCTGGCCGGGTGCCAATGCAC
>EP78486 (+) Dm BEST CK0246; range -499 to 100.

CTAAGTAAATCAACAATAAATCTGAAACCCATTGATCGTGCTCTTATAATACTGAGAT
TATGTTTAAATACACTAATGGTAATATCTGCTCTCAATTACTAAAACCTCATTTTCACAAG
GAGTTTCCGAGTTTTGTGTGTCATTCTTTGGCGAAAGCCACTCATGTTACCTAATGAT
TGTTTATCTGGGCTCCTTAAGGGTTGCTAGCCGGGGTCTTTGGCCTCATTTGCGCCACT
TTCGGAACAACCACCACCCGAGCCGACTGCCCAGGATGGTGAAGTGGGTCCAGCTGCCG
TTCCGCCATTCCGCCGTGCTCTCCACTCTCCGGGGTGGGCTGTGCGGCTGTGGCTGCG
GCTGTCTCTCTTGACTCTCGATGCGGCCAGAGCACCGGTCCCGTGAGCACGTATTGATT
TTCCGCCATTCCGTTTGGGATGCTGCCGAAATAAACTTTGCAACTGCTCTGAATGTGAAT
CTGAATCCGAATCCGAGTCAGTCTCTTTCCGAAGTGAAGCGGAAAGGCGTCGAGTGAAA
ATGGAATAGGTGAAGGGAACGCCGCGGACTAAAAATTCATAAACTTATACATACCGC
>EP78487 (+) Dm SU; range -499 to 100.

CGAACTGGAAGAGAGCACCCACATAAAGCCCGTATCGGATTAGCAAGCTGAAGATGTCCT
CGTCGCCGTACTTGTCCAGGGCTGCGGCGGCGCCAGACTGTCCGCGGAAGCCGACATCG
CTGCGCTGGTATTGTTTATAAAACAAACCCGCGAGGATTAGACAAAAAAATAACAAC
ACAAAAAGTTTGTTTTTGTATTGGGTAGAGATGGTACCCTGAACCAACAGTTTCAGGTGG
AACTATCGATAACTTTTTTAGGTCAAAGTTTTAAGTTGTAGCTCATTAAACGGCAAGT
ATTTAAAGGCTTGACACAAATCTTCGCTTGATTTTATTTAAATTCATTACCTGGATTAT
TAAATACATTTTATAAAGTTTAACTAGTGAAATAAATATCCCATCCCAACACATTCT
TCAGGGTTACCGTTTAAAGGTATGTTCAAACTTTATGGTATATTCCGAGCCCTACAAAA
GTCTTGGTATTTTTTACACTGGTCTCATAGTCGCGGCTGATAAGTCGCTAATTTTTGCA
TAATATTAAGTATAAGTCAAAACAAACGTGCGAATTATGTCATGTATTTCGGCTAGCGTCT
>EP78488 (+) Dm CG2907; range -499 to 100.

CACTCTGCGGCGCCAGATGGCGTGATAAGCTGCGGGTTTGCCTGACCAAAACAGTGCA
CTTTCCTAAACTCGCATTTCTGTTTACATGATCACGTAAGTGAGACCGGATAGCCGTTAA
AAAATACCAAGCACACTTCGAAAATATACTAAGACTTAACATTTTATAATATACCAAAAT
ACTTAATAAAATATTTAATACAAATATATAAATAATTTATATAATAATTTGTTGACTAATA
CATTTTTAGTATTTCGAAGTATTCTAGAGGAACATATGGAGTTCAACATTAATAATACATT
TTTTAATAGAGCTTACCGTTGAAAAGCTGAATTAATAAAACAATAGATTTTTATAATTG
TTGCTCCCTTAACACAAATTAATTTAATTGATCATTTTACCAGATTTTTTAAACGTAAA
ACCAAGCACACCCTTCTCCTGTAAGATTTTCGGATTCTACCAGGTGAATACCCCTATT
GAATCCAGCAAGATGCGCACTGAGCTTGAGATCCCTTACATAATTCTGGATCGGATCAT
GAATTTGCGGGCAAAGTGGTCTTATTACGGGAGCAAGCTCCGGAATCGGAGCTGCAAC
>EP78489 (+) Dm SEC8; range -499 to 100.

TGTAAACAATCAAAACCAAAAGCAATTGCAAAACCAAGAAATTAATTGTCATGTAGGT
GTCATGCGTTTTTCAAAGCGAGTATTAATAATTTGTTTTATCGCATTGGCTTTAGCTTAAC
ATTTAGTGAAGACATTTAAGTCGACCAAGCACTCAGATAAGTAGATGCAACTACACCGTT
ACACAATAAAGTTAAATGAAAACGCCTATGCTGAGTTTTAATTTGTTACTAAATATCTTA
CACATTTTGCATGGCTGTCAAATTATCGGATGTTTTGGTGGGCCACCTTTTCACTCATA
ATTGCTGGCTTTATTCATTTAAATCATGTGCATTAAGCCCACTAAATAACTTTTCATTTTA
TTCTTAAACGTGACTTTGAAAACGTTGTTTTTGGGCGCTTAATATTGAAAATTCAAAAAT
AGAATAGAACGCCCATCTCTACAAAATTGTCCATCACTAATCCAAACGATAGTTTGACAA
GCCTGTGGTATTTCTTGCACTGCTCAAATGGTCACTCTGGTGCTTAAGTGCTTATTTTAA
CAACAAATTTACGAGCAGTTGCTGGAATAATGTTGATACTGAGCTAACCTGTGTCCCT
>EP78490 (+) Dm CG6764; range -499 to 100.

TCCGCGAGGGCCGATCGCCAGTCGCGCATGTACATGGCGCGCGGCGAGTGTCTGCGTGTT
CCCGGTACGCGAAGGCAGGGCTCTGCATCTGGTCGCACGTCAGCAAGATCTCGTTCGCGG
TGATGTGTCCGATTTTCTTGGTCTGCTGCTGTTTGTGTTGGATGCTGGCGGTGTGACCA
GCGCATGAGCGGGCGATCAGCTGGCGCAACAGCTGGTGCAAACTGGCGAGCGCATGCGAT
GTTATCGAGAAACAGGTGCAACAATTCAAGTTAAGTTAATGTAAACATACTGGGAAAAAC

ATGATTTGGACAAAGACCGAAGGTAATTGAAATTATCAAAACAATACAACGTGCAACTGG
TATCGCAGTCACTTGCAATTTATACGATTTCTTGCTTGATATTTTTGTCTACATCTA
GCTATTTTCCATGTTAGCCAGTGTTATCGATAAGCAGTGACTGGTCGCACTGCTGACTGC
CGATACATTTTCATATTTCTTCTTCTTCAGCAGCACACGTGCTAGCAGCTTGCGATTTG
TTTTGTTTTCGTAATTTATCCGTCGTAAATTGCGAAAATGCGCATTCAAACGTGCTATTT
>EP78491 (+) Dm SUVAR(3)7; range -499 to 100.

ACGGCCGGCGTGGCCTGTATTGAGAGCGTAGGGCATCTCTGGGCGGCGAATATAGTCAGT
GAACATAAGACCCTGGTCTCTTACTTTGGTATACTCACAGTTTTTCTGAGTTAACTGGA
GGTTTGACATTTGGGTAGTCTTTTCCAAAATATAAACAAAATCCAGTGAGGTATGACCGT
GCGCACATGCATAGAAATACCGCATAACCCGTTTTGCACATGCTGTAAGAGTTGTCACCC
ACACCGGTTGTTTGTCTACACACTTTATTTTAAATATTCAACGATATATGAATCATAT
GCTAATGCATGTAATTTCTTTATATGCTTTCTAAGCATAATGTTTCATGTAGTTATTAAT
AAATAATTGCAGTTATACTATGAACAGTACGTTTTAAGACCGTTCTCAATAAAGTGACCA
GTCCAGTCCCTCAGTTGCATTTTATGTATTTTTGAACTTCCTTAGTATATGGTCCTTAG
CCCGCCGTTAATGCAACAGTACGGTCACATTGGCCATCGCCTTGACAGCGATTCTGAG
TTTTCGCTTGCGATTATTTTTATTTTTTAGTTTATAACCGTATACTGTGATCTCCCAAA
>EP78492 (+) Dm CG12045; range -499 to 100.

AACTATTGCCATTAAAATTGCATCATGCTCTGCAGAACTAATTGGTAATTCCTGGTTTCG
ATAGATCCCCCTCCCAGATGAGGATACCTCTGCGCTGAGGCTGGATTACAGCTGAAAACT
TTTGAAATAATTAATAATATTTTCTGCTTGGGCTTGGGCTGGTGCAGGCAGAAACGGT
GGAACATAAGTGCATATAGCATATATTCGTATATATAGAAAGCAAAGTTGGCGCTCCAAG
CGAAAGAGATCGAACTGGTAAACGACTTGGCAACACGACCGCGATACCAATACTCGCC
CAAAGTTGACTTATTGGAGCACTTAGCTCGATTCTTGTTATTGTTACGCCGACTTGCCG
ACTTGTTGTTGCCGTTAACGTTAATAGTACCAACACAATTACATAGCTTGAGTGCCTAG
GCGGAGTCGATCGGCGATCCAGCGATCCAAGGTTCCCGCTCGGACTATAAAAAGCTTGGG
CGGCACCGTTGCGGAAGGCAGTTAACTCCACAAATCCGTTGCCGTCGGTCCCATTTCCT
CTTAACCGACTTGTAAGCGTAAAGGCGCGTGTGAATCCCCCTCGAGAAGAAGATAAAATT
>EP78493 (+) Dm CG11190; range -499 to 100.

CGAAAGTGCAGTTTTTTTTTGTCCACTTTTTCTTTATTTCTAACTTTTCACTAAGAATT
CCAATAAATTGTTTTATCTTTCTCTCGATTCCCTATTCCTTCTTTTCGCTGTCCGAGCATT
ATTTGTTATACCTATTTCGCGTTTTCTCTTTGGGTGTACGCCAAATTTTTGGCGGGCTCA
CGATTCGTAAGATTGCGACTACTTTATTTGCTTTTTCTTTTACTCACTTTTGATG
ATGCTCGATTTTGGCGCGCTTCTCATTTATGGTGCTTTAGTTGTAAGCCCAACTCGTG
ATGTGGTGGATTTTTGCTTTGGTACAAATCTTTTTAACAGACTTCTCAGCGATAACGC
ATTTGACAATTATTTTTGAATCAAATGCACGTTACAAACAATAACATGTGTGACCAATG
TAACGTTATCGATAACGTATCCCAAGTTATACAACACTGCTAGGCAGCACTTTCCAGC
CCTGGAAAAATACCAAGACATCTACCATCTCTCTAAAAACGAAAACATCAAAGATTTACT
ACACCAAATTAATAAATCTTATAAATCTTTGCAACCTTAAGTCCGTGGCAATTTCCATT
>EP78494 (+) Dm CG8736; range -499 to 100.

GCGACTTTGTCAAATGTACCCGTACGAGCCAGGCTGGAGATTTCTTTTTGGCCGAAATG
CAAGTTGGGGGCTTAGTTCATTGCTAATGACGGCATGTTGTCGGTAACTCGATAGGGGAG
TGCGCACTCGTATGTGTTGCATAGTTGGGTGTTAAGCATATTACCCGTATGTATGCAC
GAGTATGTCTGTACATATCTATCTGTCCGTGCGCCCCGTTTCGATTTATTTGTCCGCGCTC
CACAACAAAGACTCATAATAATCTGTTGGGCAATCAAGTAAAATATGCGCGAGATCAGT
CAACTACAGAAACAAAAGCAAAGTAAAGCAAAGCCACTGCAGCAGCAGCAATAGCAAAA
GCAACAAGCACAGCAGCCGAGTAATGAAAGTAAACCGAGTCTGGCCGAGAGACTCTGG
CTGAGATTGAGACCCGGCAAGAGTCGGTTCTAGCCAGCACCCTATATAAGCTTGATGG
CCGGGCTCGGCAGCAGCAGTGCAGCGCCAGCAGGAACCAATTGGAAGTTTGAGCTACG
ACTCCATAGTCCAATTCGGCAAGGATTACCATAAGCCCCACACCAGAACCAACTCCACAA
>EP78495 (+) Dm CG16844; range -499 to 100.

AAAACATGACTCCCTGCCAATCCAAAACATAATCTTTCCAAGTACCTTGCTAACCTT
TTTTGCATAAAACTTGCTAATAAACTGTGTGCTAATATGACAGTTTATTGATTCGGCGGA
ATTGAACGCATTAACCGGTTTCGCAATACTGGGAAAAACGAATCGCATGGGGCGCCGCC
AAGTCAAATGGAATCAGGTTTGCAATCTGGCCACCTTGACGTGAATAGAATCGCGTTCT
GGACCAGCTTGATTTCCCTCTTCCAATCGCGCAGCTCGGGGCTATCAGTCTGCACTTGT
TTACGCTCAATTTCAATTGAGAAGCTCGCACCGCTGCACTCGGAATTTCTCGATGGAGGT
GTTGGCTTTGGCTTGAGCTTGGGAGAATCCAATCTCGGCCAGACTTTTCCCGGTGTGCG
TGCCAGTTGGTTGATAAGACAGATCGGTACACTTGGCTGCTCTATGACTATATAAAGCGT
GTTGTTCTCAACACTTAGCATCAGTTGTCAACGGCTAATACGCGGGAGTCAAGCTCAGAA
TTCAACCACAAAAACCAACAACATGAAATTCCTATCACTCGCCTTCGTTTTGGGTCTGCT
>EP78496 (+) Dm CG11099; range -499 to 100.

CGTCGTACGGATACTATTCGTATCCACATCACCATCACCATCATCATAATCATGGATATG
GCTATGACTACGGTTATGGAACTATGGATATGGAACTATGGATATTGAGGAACCACTG
ACTGGAATTTAAATTTTATGGAATTTTATTTATTTATTAACCTATTTATACAAATAAAT
CACAATTAACAACATGAAGACTATGGCACTTCAGTAACATGTAAAAGTAAAAGCTCAGGT

AGATTTATCCAACCTAGTTAACTTTCTTAAGAAATTTTATGGAACTTGCCATAACCCC
TTTTATTTGCCACAAAGCTCTTGCAACATGGGAGCTTCGAAAGCTTGCCCTTTGCATTTG
GCTTGCAAGCAACGACCTTGAATGCACAGCTACAACCCGAAAAGGGAGGGCGAATCAATG
CACCAGGAAAATTCAATGTCAAGTGCACAAAGCTCGGAAGGCATTTAACCCTACAAAAC
AAACGGTATACTTTGCGGCATTCATCGCATTACGTATACGCCGCGCTGGTCAGTGAAAGG
TGCTATGATGGGCGATTTGTTATTGCAACAATAAATAAGTAAGAAGAAAATAAAATTCGA
>EP78497 (+) Dm CPB; range -499 to 100.

CGCATATGATTTCTAAATAAGTATGTATGTATGTCTGAAGAGTGCGAAAGCGAAGCAGCT
TAAATATATTTTAAACACGAACTCGGATAAAAATTTACGATTATGCCATACATTTTGTG
TAACATATTAATAAACTACGAGTAAGCTAAACCCACAGTCACACACAAACCAAACGCATTG
TAACAGAACTCACAAACACGGAGAGGAAATGGGCAACCAGAATGGAATTAAGCATAAA
AGTATATGAACGAAAACATAATCAATAAACTTGTGCTAAAATATAATAAAAGTAAGAC
CATGGTTTTATTTGCGGCGGATTGAGTGCCAGAGTTATTTTATAAAGTGTACTGCAAA
TTATTGCCTTTTGAAGTAAGTAAGTGCCTTCGTTATGTTAATTTCAAATATTTCCGC
TAGATAGTTAGCGGTAAGAAATCGATATACCAAATCGAGCGAGCAATCGATGCTCCACC
AAAATGAACGATATCGCATAATAATCGGGCTGTGTTCCAGCTCTAGCACACCATAGCAAA
AATAAAAAATCCTAATAAAGGAAAAAGAGTCAATTTAGTGCAATCACTTGCAATATAA
>EP78498 (+) Dm CG10413; range -499 to 100.

TATAAATTATTGTTAAAAATATTTATTTGACGCTGGTTTTACTATGTGTTATTATATTAA
ATTAATTTAGATAAAGTCTTAAACCGACTAAATGTTTTATGCAACAACTGCAGATTTGT
TTATAAACTATGATTTAAGATTTTAAAGATATTTGAATTCATATTCGATATATACTGCAC
AAATATTGTTACAGTTTAGTATTTTTATGCTCTGAAGCCTAGTATATTTAAGTTCACTG
CCACATTATTTGAGTGACTTCAAAAACATGGTCGTAGAAGTGGTTGTGGGGGGTTAAAAG
TTCCACAAATGCCTATTATATCGAAATTTCTAGTGTTTTATAAACTTATTTATAAAGTCT
GGGGTTATCCGACCCAGATAGCGCATTATAAGTGTTAAATATGTAGGGCACATTCAGGT
GTGATTAGTAAATTTGTGTATACCATTTGCATTAAGAACCCCGTTAAAAATTTTCTACAC
CCTGCCCATGATTGTGATTATTCTTATTGGTCTGCGACAGCTGGAATTTAGGGCGTTCTG
TTGAAACGTCTTTAGTGTTTTCCGGATTTCTCGCACCCGACCCACGGACATCGAGATGAGC
>EP78499 (+) Dm CG10585; range -499 to 100.

AGATATTTTTATTCTGTTTGAATCAATTCGGTCAACTGATTGTTTGATCCTTCTTAAAA
AAATTTTTTTAAAGGTGAATACAACTATAATAAATTGTACAATAGAAGAATTTGTAATC
TATTAATGGAACAAATAAGTGTGTTTGTACCCTAGCATCCAATTGCATCGCTAACA
CCAGCCACTGTGTTTCCATCCCTAAGAGTGACCGTACTCCCCATGGCCAAAAAGTGTGC
ACCGAAGCGCGCTGCCGTGCGAAACCTGTTCCCGCTCAAGACCGCGCTTACACACCCC
CTGCGCCGCTCCTCGGAATTCATGACACTGCGTGGGGCAATAAAAAACAAACAGAACGC
TTGGCGGCCACCTGAGAGCGGAGCAGCGACCAACTGTAAAAGTGGGCCGCCCGGAAGAA
GAAGAAGCAGCGTAGGCAGCAGGTGACGCCGACAGCGACGTGGCAGAGACGCAAGCAGC
GACGGACCTCGAAGATTTCACTTTTTCGACGAACGATTTAACTGAGCGGAGCTAAGAAACG
CGATTTTCATACAAGCAATTGAAAAAATAGTCGTGTTGTAGGCGAAAATAACTAGAAAA
>EP78500 (+) Dm CG4468; range -499 to 100.

TTAGCTCATTAACATTTCGCTTATCGCGAATCGAATATGTATATTGGGTTGCATACTTTT
GGGAATAAATCAAAAGTTCCGCATCTACACGTAGTTTGTATAAATGTAAAGCTTACATT
AGATCAATGCAAACTATTATAAACTATTTGGCAGAATAAGGCATTAAATAAATTAAAA
TGGTTTGCATGATATTTAAATAAGCTTTTCCAGGAACAGAGCCATTTGGGACCAATGTAAA
CCCACAAACCAACCTACCGGCGACCACTTCATCCACCAAGTTGACACACATTTTCGT
GTGACTGGTATAATAAGTACACATGCCCGGCTAAATATCCAAGCGCATTGCTCCACTAAC
AACATATTTCTATTTGGTCACCTGTCCCACCATTTCCACCCAGCCAGAGCGACAAGCAGA
AATCGCAAATCAATAAAATGGAAACATAAAATTGCCAGAAGCGGCCACGCCAATTGG
CACCACAAGTTTGTGTCATTTGCGGAGCAGCAGTTGGCGAGGAAGCACCAGGCGGAGAG
CACTTCCAGGACCAACTCCAATCAATGCAAGTGTGTCAGGCTGACCGACCAACTGCTG
>EP78501 (+) Dm CG4408; range -499 to 100.

GTTTTCCAATTGCAATTGCGCTATAAATTCTACCAAAATGTAACATGAAGTGTATG
AAAGGTGATCATAAATCGTTGACTTCAATTGCCCATCGGCAAGATGCAGGGGATCCGAAG
CACATACAGACCGGCTCAGAAAAGAAACGAGATGAGAATCGAAAGCTTGATGAAGAAGCT
GCGGCGTTTGAAGCTTATCAAATACGACACGAATCAAGTTCAATGATTTTTTACCAATA
CCCTGGAATTAGCAAGGGAATTTCACTACTTTAAAGGCACTTGAAAAAGAAATAATTGG
TTAACAAAAACGTATATATATACTTGCTTTAAATACCATATAGCACCTATGTTACGTAT
CAGTGCAATACATTCCAAGGTATCAAATAGTCGACTTCTAAATTTGTATAACCTTTTTCT
TATCGCCACTTCTTTTGTGTGCTAATATATGTACGCATGTCAATCAGCGCTGCAAGAGA
ACGAAATGGAATATTTTATACCGATTTCAAACCTTCGGCGAATAAAGATGTTACCCAAAG
GAGGGACACCAAGACTTGGCTGCTTCTGCTGCTTGTTCAGTGTCTGTGTCATCCAGG
>EP78502 (+) Dm CG5590; range -499 to 100.

TAGCCGTTCTAAGTTTTACTCCGATTTTTGATGAGAAGTACTGACGATGTAAAAAGTGG
CGCTGGAATTTGAATTTGATGACATGGCTACACTCAGCTACCAACGGCTTATCGATAAGT
ACCGGCTATCAGTATCGAACTTAGAGATGTGATCACTTGTGCTGTTTTGAACCAAGTTTT

CGGACAAAAAACATGATTTTGTCTAGTTGTGAATTTATAAAAACTGATAATAATTGAAATA
TTTACTAGTTAATCTTTTTTTTGTCTTTCGCAAATTATCTACGAATTAACTTTAACTAAC
ATAAAAAATTCGCCACTATCAGTGCCTTTATTTTTCAAATAAATATGTCGAGTGCTGCCAT
ATTTTTGCAAGTCAAAGGCGAAGGTTGCCACACCGGGCACAGGAGAAGACAGTGTGCGTG
TGGAGTGGTGAAGTGTGTGTCGTGCATGAACTCGACGACTTGTGTGTGGATCAAATCG
GTTGAATCTGCACTTTGGACTTTCTCTTGAATCTTCGATTGAGAACACTGTCACCGTTA
CCGGTGTGAATCCAGATCTCACAGCGAACGGTCTTTAACTTTGGACAGGATGATCAACA
>EP78503 (+) Dm EG BACR7C10; range -499 to 100.

ACTGGTTAGCACTTACAAAACTTAGAATTTTGGTTGGTCTAGATTTTGGAGCAACGCGG
CTTCTCCACGCGCAGCCCGGCACTCTCAATGAATTCGATTTTGGATCAAGGAATAAAC
TAATGAAACGCGACGCTAAGAAGCAAATGCATTTCTGCCAGTATTTTTAAAAATGGCGTT
GTTATCGATTCGTTGCAGATGTCGATTAGTGGCGCGATCGACGGAGGTGCCGGTGTAGAA
AGATTTTCGATTTTTTTATAATTTGGCTCTTGAATAGCACATTTGCAAAAAATGTGGTTGGA
CGATTTGTGCACGCCGATTTGACAAAATGAATCATTGACAGTGTATCTACATACTTATAC
ATAAAAAATAAAGCTACCTAGATCTACAATATTTTAGCTACTGCCAGTGATAAGAGCCC
AATTCCTTGCACTAGCCAATTCGCCGATAGCCGATAGCAGACAGCCGCACATATCTATC
GCTTTTTTGAACAATCGTTGGTAGCAACAGGGAATTGCAGAAACAGTTGTCTTGGGTTT
CGCAAGAATTGGAAAAGGAGGATCTGGTCAAAGAGCAGGACATGGAGGAAGAGGCCCGC
>EP78504 (+) Dm C12; range -499 to 100.

TTGGCTTCCCACTTCCCGGCATCCCCCTGCTCACCATTGCTGCGGCACCAGTTGCGGA
TCCTTGGGCTTGCGCAGCCGCACGCTCACATCGCCGATGGTCAGGCTGTCCTCTCCGCG
TGATCCTTGCCAGCAGTCGTCTCGCCAGCTTCGTCTGGAATTCCTTGCATTTCCGAGG
CTGTGATGCAACAGGTGGCCGCTGCAGGCGCGCAAATTGGCCAGCATGGCCGTCGGTGGG
GGATGGATAGCAGGGGGTTGGCTAACTAACTTAAATCGCTTCAAGTTGCCGAAAAGT
TTTGTCTTTCAGCGTTTTTTTGTCTGCGATAAAACGGCGGTGCTCCGCGCGTGTTCAC
CGTAACAATGCTGCCCATTGGTGCACAGCTGATGTTCCAGTGATGCCAGCAATAGCC
GCCCTTATCACGGTTAAAGTCCGCACTAAGCGTGTATCGAAAGGCCTATCGGTCAGTGTG
ACCGTGGTACGGCTCGATTATTGGTACTGTTGATACATCAAACAAAGCACGCAGTTCGGA
AATTCATTTCACTTTTCATCAATTTAACAATTAACGCATAACTAGCTAGTTGAAAAATGA
>EP78505 (+) Dm PHYL; range -499 to 100.

GCATATTTCCACTGGCACTGCCTTTTGTATCCGTTTCTGTTTCAGAATTCGCACTAGT
CATCCTAGCAGTCAACATCCCTTTTGGCGCCCTTAAATGTGAACATATGCCGCTGTTTG
TTTTGTTTCCGCTATGCACTTACCTTTTGTCTTTTCTCTCACTGCAATATTGGTTAT
ATGGTACATGTTTTTCATTTTCAAACACACAGGCTTAATCTGAGCCAAAAAATTGCAT
TTGAGTATAAAAAATTATACAAAAATAAATAAATATTTTTAAATTTTGTCTTATTTGAA
AATATATATATGATTTGAAAAATGATATATTTTGCATGACTTTTATTTTATTAGTGTCT
AGCTTATCCTTTATCTCTTATTTTCCCATCGATCCGACAACGCTCGCCACTCTCGCATG
TCATTTGCCAGATGTGGCAGCCGCGAGGCACAAATTTTGAAGTGGTGGCCAGAATGCGA
TGAGGACAAGCAAGGCTCATTGAAATTTGTGCGTGCAACGCGAAGGACGTGCCGCTCCG
TAGCTCGCTGTCCGCTCTCGCTCTCCCCGCTCTCTCGCTCTGTGCGACGCTTCGCCGC
>EP78506 (+) Dm L(2)35BD; range -499 to 100.

GCGTCTTGGAGAACTTGTGGAATTTTTGCGCTCTATTCGTATGACTATCCACACATTAG
GCAATATGCTGTCTGCTCAAGGATTTAACGTAAGTCTGATGCTGAGGATGCTGCTG
TGCGTTTTGGAAAAATCCGGGCAAGGGAATAATTCAATAATTTAACAATTTATTCAAAG
TTCCAAGCAACCGCATTTAAAAAGTTAAGAAATGCATGAGTTACCAACAGCTGATTGATG
TTTTCCATTAAACAGCACTGTTAACTAGTGTGCTGACTAGTGATGGAATTTTAAATCTGT
TTAGCTTTAATCTTAAAGTAGCTAATGAGGATGGTTTAGAGAATATTGGTTTATAAAAA
ATTAATTAGGAAGAAAAATAAATTTAAATCTAAATGTATTTCTTATTCTGAATACTT
TCCGCGCGAAATAACATCGAGTGCCGATAGCACTCGTGCCTAATCTAATGACCCGA
TAATCTCGATAGGCAACGACTGTTGGTCAATCCGGCAAAACAGAAATTAATAGAGACTAT
GAGTCTTAATTACGAACAAAAACGCGGCAGACGAGCAGTTGCGCCGCGCACACAAAGCAGT
>EP78507 (+) Dm CG5971; range -499 to 100.

TGGGGCACACATTTGGCCGACCAGCCGTTGCGGCAAATGATAATATAAATAAATCAGACA
GAGATTAAAAGAGTTTCTAGAAATCACCAGATCTTGGCCACTGTGCTACGTATTTCTCC
TTCGAGCGTGTGTGTCATAATTTTTTTCGCTATATCTAAATTCATTTTATGTGCGCCC
GTTTATATACTTAAAAATATCCCATAGCCAGGGGAAATATTTTATAGCGCTTACGTAAG
CGTGTTCAACGTCCAGCGATTTGTGTTTTCTATCTGCCGCGGACCATTTTATTTTACCA
GGCCGTCCACACGCGAGTATGTAAGTAATCAATATAGGCGGACTGCTGTTTGAAATGTT
GTAATATGCGCGCCTAATCGATAGGCGATCGACAATAGGCAGCTCTGGGCTAGAGCTGC
CAGATGACCAGACCAGGCTTGATCAGCTGTTGCTCGTGGCGAATGGCAAATCAATTTGC
GCGCTTTTTTAACTGTGACTGCCAGTGAAATTTGTAACGCACGCTGTGGCTATTTAAC
TCGTATTTAATAGTAATACTGCTGATCAATAAACTAAGCTAAAGAATGGCTGCCGTAC
>EP78508 (+) Dm CG7181; range -499 to 100.

TTTTCTCGAGCAACGAATATCACATGACGGACATGTCCCATGCAGCAGTGGGACCATGCG
CGACTATCGCTTGATTCCGATGGCACGAAATGGTCACCTGGACCGCTTCCCTGGCTTA

TTTTTCCCTTATAAATTTGTGTATGCCTATCACAAATTATAACACGTATAATATTATAAAT
AGTGTTATCTATGTTCCATTAAATTTTCCGATACATAATATTAAAGCTATTTTTTAATTA
AAAAAAGGATTTTTTTAATATTGAACAACTAACTAATTTAACTAATTGTACGCATTGTG
ACCATACCGACATTGAGTAACTTGATTGACTTAAATTTATTTCTAGGTTGTCAAGAACAT
TATTTTTAATCAATAAGGTATTTCTAAACAATTATCTGCACCTGAAACACCCTACATTTT
CGTTTTGGCTTGGCAGTAGTTGTGTTTCGCGTAAGACCATCTCTAAAGAAAGGCGAATGAC
AAATCGTTAAGAAGAAGCATTCTAACCTTACAGCATTGATTTTACGCCAGCGTATTTTGC
GAAAAAGTTTGTGAAAATGTTCCAAAACAGCGCTGCCCGCCTCCTGGTCCCCGCTATGCG
>EP78509 (+) Dm HUG; range -499 to 100.

TGACAACCTATCAACTTATATTTAAATCTGCATCTGTGGGTTTATCAGTAAGCAAGCATT
TAGCTCGTTTATTAAGCCGCTATAATAAAATATTTCTGGCTTATCAACGAATACCTGCA
ACAGTCAGTTTAAATATCATCAGACTAAAGTGATAACCCGGAAATTGAGGTAAAGCCCAT
ATAAAATTCGTATTAATGTATTTTTGATTTTGTGTAATTTTTCCCACTGCAGACTT
TACAATTAGCTTCCCAATTTGAATGCCAGTCACTCATTGAATCCTATTTTCACTTGCTC
TGTGGGCGACAAATTGGTGGCGCTTCCGTTTGGGATTGCGCGTTGATTGCTTGTTTAC
GCTGACCGAGCGGCTGCCTTTTGGCCGGTATTAGAGTGCATAACAAATCACTTAGCACCC
GTCCATCAGGACCTAATCAGGCTCGCATGGGGCCGCTAGCATTGGCTATATAACTTGC
TATCTGCCGCGCTGCTGGCATAGTTGTCCCGCAAAGCAGTCCCAAAGCGCAACGCGGTT
CCATTCGATCGTCCGACTATTAAGTTAATAGTTCCAGCGCTTCCGGAGTGTCTGTCTGT
>EP78510 (+) Dm CG10830; range -499 to 100.

GACGCCTTAAAGTATGCCATGTGCCATAATTTGCTATGACATGGCAGCGAACTTTGCCCC
AAATAGGGGTACCCACCTTACGCCAGCTGAATGCTAATGCTAAATCGTCTTTTCAAACGC
ACAATTTAGGCAGCAGCATCTCTGGCATTAAACAACAGAGTAATCCAGCATATTGGCCAT
TAAGTATACGCACTGCGGACCCTCGTCAAATTAATAACATGCGGGCGGCAAAGTCGGCG
GGCAACCCTTCGAGCGGTATATACATATGCCAGAAGTATCCGTGCACATTTTAGAAATT
TAACCACTTGTTAAACAATAATATCCAATATCAAACACGTCCAGCGAGTGCAGCAGGCCA
GAGAATGAACTGAGAGTGGCACACTTCCCTCAGAGGAGTCCAGAGAGAAATCTCTCCTCT
TCCACAATGCATACACACAAATGTACACCAACGAGCGAGTGAAAAGCGTTCTGATTTTGG
CCAGGCCAAAAGCACCGTCAGTTCGACACGAGACCTGAACGAGTGGGACGCGTTTGGCG
GACAGAAAACGAAAGGAAAGCAACAGCAGCCAGTACCACACAAGCTGTAAACAAACCCAT
>EP78511 (+) Dm CG5745; range -499 to 100.

CGTGACGTTTGCAAGTCCAAAGCGCATTGCGCAGGGTTGCCAGGTGAGCGGTCA
AAGTCACGCATCGAAACATATAACGGTGCATAGTTTCCCTTTTATTCTTTGCTAATAAGT
AATACCATTACTACCATTAAATTAATAATTACCTAATTATACTACTTAATATTGCAGAAAGA
AGAACTCTGTACAAAACATTTTCTGTTATGTTTATACCTCAAAGATTACGGTCTTTATTAA
ATATTTTTTAATTACATACCTTTTTTCCATATTTCTAAAAGCTTTTGCATAGAAAAATGT
CTTGAATTACGAGTTTTTCAATTTTAAATCATTTATATCTCTTGATCGACTCGTCGGAAC
TACTAGGTTCACTCTTCTCCACAAGTAATGGGTATCAATATGGTTTCGGTTTTCGCACCA
CACTTGATCACGATACGCTCTCATCACTACCAAGAAGTGTGTCGGTGAAAGCCGTAAA
TAGTTGCCATGGTCACACTGTTTTTGTGCAAAATAATATAATGACGTGACATAGAATC
GGCTCTAGGGAACGTATGATGGATAACAATGTAGAGCAATTAGCAGGAAAGAGCCAACT
>EP78512 (+) Dm CG31343; range -499 to 100.

TGATATATTTAAATGTAGCACTCGTAAATTAATTGATACTTATTAGCGTTTTTTCACG
AGTATTTATGACTGTTTTGATTATAGCACTATAACAACCTTGCAATTTTTCTGACTTTCAA
ATACTTAGTCGTCAGACGAAGCCATAATTCAAAAATTTACTGCTCCTAATGATGAAAC
TAATAATAGGAATTTGATTAAACAAAAAAGTAATGTTATCCTGCTTTATTTTGATAAGCGT
TACGCTACTGAATAATTAATGTTACCGAGGGGATTTTTTACACTATAGAGTACCATCT
TCAAACTCTCGTAGACTAATTGTTTTACAGCCCAATCATACTTCACATTTGACTTGTC
CAGTGCCTCTGGGCTCAATAACCGTGGCTTGGCACGTTTTATCGAGAATTGCGCAACAA
TCTTTATGGCGATCGATGTTGAGGATTAGATATGGCCAAGTCCATAAAAATGCCGTGTT
AAGCGGCGGCCGCTCAATAACAAAGTGTCTTTTACCGAGCAGCCAACATGGCACGGTGGC
TGCTTAACCTGTTTTCTGATCCTGCTCTGGCAGTGTGCAGCCTACAGGCGCGCCTGA
>EP78513 (+) Dm CG9512; range -499 to 100.

ACCCACAAACCCAAACAACAGGTTTACGCTGGCGATACCCCAACAAAAATACAACCTGCT
CTTATCAGCTGGAAGCGAAAGAAAAAAGAAAGAAAAAACACGGCCACCAACGAGCATAA
AGATAACCGAGTGCAGAGCCAGGGAGGCTATAGATTCTCCATTCTCCAATCTCTAATCT
CGATTTTGGGTGGCTTCTATGGGTGCTGCGGGCTTATCACACCACGGTTAGCTAATCTT
CGAGTGATAAGGGGAGTGCCGTGCGAGTGTGAAGGCGGAAGGTGCGTCTAATTTATGTC
TGTGTATATATGGGTATATATGCCATACACCTAGTTACGGCTATATACTCGTACACATAC
GACTCGAAGCGAAATGCAATGTCTCCAAGCGATTTTGTTTTTTTTTTTTTTTTGTGTA
TTTACGAACGCCGATGGCATAACGAAAGCGTTTCGCGGCCCGGCCGTACAAATCCGGTTG
AAAGCCGGTCCGGTAGAACAGTTGTGTCGAGCGGAGAGAGCGTTTCGCACGTGTGCCGCA
GGTGGATTACGATTTTTGAAGTCGAGAATAACCGCAGGATCACACGAGGATAATACAGT
>EP78514 (+) Dm CG3511; range -499 to 100.

GCTCTCAAAACAAATGATGCCGCCACCGCTGGTGTGTTGTTGCTGTTGCCGCTGGCGCTG

TTCTTGGCTCCGCTTCTCCGCCGCATCGTCGCCTTCGGCAGCTCCAGATGCGGCCACG
CCCCCTGGCGCGCGGCTGGGCGTCGCGCCCTCCTCGTCCGGTATGTTCTGCATCGCAAGG
CTTACGTTTTTATATACAAACGATTTGTTTAAATCCCAGTGCCTTGTTGTGTTTGCAATT
TGTGTGAATATTGCGCGGAATTTCGCATAAGAGCGCGGACAACTTTTGAAGTGTCTCTCAA
ACAGCTGACTGAGCGCGAAAGGCGGAAAGTACTGATGGGGGTTTCACTTCGATTTGGTTA
GTTAATGTGCGTAATTAACCATTAATTGGTAATTCAATTTATTTTACTCGTTTCTTTTAG
TTTTGAGTTAAAATACAGGATATTTCGTCCAAAGATATCGCAGAATCATTTGAATCAGCTG
CTTTTGACCGTTAACCAACACTGTTTAATCGGCGGCAAACTAGTTCAGTCGTATTTTGT
TATTAACCTCCAAAATGAGTGATAAAACCAAGGAAGACCTGAAGCGCAGTGCCCCGGAGG
>EP78515 (+) Dm CG3238; range -499 to 100.

TTCTTGCTGGGGCAGGCGGAAACTATTGTTTCGCTGGATCTTTAAGATGTCCAGTTCAGT
TTGGTTCAAGTGTAGTGGTGGTGGGAAATCTGCGACCTTCGGGCTGATCTCCCTTTTGG
GAGCTGCCTTGCTGGCAAATATCCTTTTCGCCGGTTGTTTGGACCATGGACTTCACGAG
TCTTCTGTGTATCTGCTTGCCCATTAATAATGGTAGTTACCAAGGAAGTCAATAGAATGGC
CAGCAACAGGCGCACAATCAATCTCAGATCCACATTCATGGTGATATTTCTTAATTAGTG
TGCAATTGAAAGTTATAGGCATAGCAAATTACTTTTCTGGCCTACTTGTTTGTAAATCC
TTAAATGTAGCAATTTAAATTTGTAACCGGAATTGTAACACAGCTGATCCTGGAGTGGAAC
TTGCTACTTTTATAACATACTTGTGACGATCATGATGCGTTACGCCATCCGATGTGATA
TCGATAATTTTACGCTGATATCGATAAGCCGATCGGCGACCAAGCGCATGGAAAAGATTT
GGCTTTTGTATTTAATTTAATTTAATCGGAAACTGACTGAAGTGAAGTTAATTCGCCAT
>EP78516 (+) Dm CG31865; range -499 to 100.

GTTTGGTGTGCGACGACAGCACCGTGTGGCGATGGGATCGCGTCAATTAGGATGAGTGT
TTCTAGGCTAAAAGAATTTTCTTATCCTTCTAAATCCGATACCATATTTATGTAACCAT
AGTTATTTTTCAGTGTAATGTTTACCTTCAATATTAAGTATGTTCTTATGCGTAGCATTTA
TATACAATACTCATTGTATTGACAATTTATGTTAAATTATGTTAAATTTTAAACATTAA
CCAAGATATTTATTCTATTCTATTACTTTTTTAATGATCAAATAGCTTCGCAAATATTAT
CATCTTATGTTGTGTAATGGCGTGGGCTCTATCTTTAATGTTTATATTTTAACTAACTA
ACTTGTACACAATAAAACTGTGAACACTAAAGATTAACCAATATTTTAAAGGGT
TCTTCAAAAATAACGGTTTTTATCTCAAATGTATCTGGTATTTTCAGCCGTTCTTTGAAC
GGTCACTCGAATCAGCTGCATTCAATTTGTTTATATAGCAATTCGAAACAGTTGGATTTT
CCTGTTTAGTTGTTATTTCCCAATACTAAATGCTTACCGACAGAGTTCTGGCCACCAAGG
>EP78517 (+) Dm CG5317; range -499 to 100.

TTGTTCCCAGGACTTTGCACGTAAAACACGATTTATTTTACCTCGAGAGCGCGGACACA
ACAAAACGGCTTTGACTGCGAACAGCGACTGTGCGTTGGCATCGAGACCGGCATTTTCAT
ACTAAAATTAACGCAATTTTACCCTAAAACGCAGTGAGAGAGTGAGAGCAGCAAACGGA
GAGAGAAACAGAGAGAGAGAGAGAATGAGTGTAAGAAAAAATGAGAAATGAGTGCTC
AAAACCGGAAATTAATGTCAAATGGTTACTTACAAGAAGAAAACATTAAAGCTGTCTCT
TGAATGCTAGCTAATGCTAAATTTATCTTATGGCATAACTATTAAGCATAGTTTTAGTT
GAATAATACAATTTCTTAAATGTTCCCGCAAAAATTTCAAATTTGTTAGCTATTCACCA
CGAAACGCGCTCAGCTGTTGCACACATCACTTATCGATAGCAAAGCACTTATCGCTCCGC
GCCCACTCTATCCTTTTTAGTTATTGTTTTGGTGCTTGACGTGTTTAAATTTACTTCG
ATTAAAAAGCCAAATACCAGCAATGTCAGACAAGTGAGTGATTGAAAAACTATAAAAAATG
>EP78518 (+) Dm BEST GH09876; range -499 to 100.

TGAAAATCAAAAGAAAATATATCATATAACTGCCGTACAGCCAAGGCAAACCAAATTTTA
ATTAAAGTATTTAATTATCGTTATAATTGTGTTCAATTATCCGCCGGCTAGATCGGAAAC
AGGAAGTTACTGTTGATGTATATTGTTTAAAGGAAATACGGTAAGAACGTTGGCAGCATG
GGTTAATTTTTCAGCTTTTGCAAAAGCTCCAAAGTAAATGCAGGCTTGTGGTAACTATCA
TCGCATGTGAACAGCGTTGTACACACACACTTGCACATTTACACCTGGGTATTGAAGT
TATCAGTAAAAAGAGAATGACTTCTCCGATTGTACATATATATATATATATATATA
TATGTATACAAAACATATATATGTGTGTAGAGCAGATAACCACTGCATGCGGAGAAGAGCT
TGGCAGGTGTTAGTGAGTTACAGTGAAATTGATTATGCGAATGGGGGTAAAAAATATG
GCCAAACAGTGAGGGAGCCAGTTAAAAACGGTGGTCGATCCAGCCGGTCCGACATTTCA
GTTGAGAAGCCAGAAAGAATAGAAAACCGAGAGCCATGAGAGAATACAGCCTGTGTATGA
>EP78519 (+) Dm CG7298; range -499 to 100.

GGTAAATATTATATTATTTTAAAGAAAGGGTCGTTTTCTATTGCACAACATTATCCCGA
TTAAAAGACCTTGATTTGATTAATCTTACAACACTATCGAATGAAAACCCCACTTTTCAG
TTATTGTACAACACTAGGCTTAACTACACGATGTTTTACTTTCCAAGGTAGACCTACACC
ATTGATAAGGATGTGGCTGCGTCAGTTGTTTGTTTTTTTTTTTTTTTTATTATTAAGT
TGCGGAACAGATAGAAATAATGACAGATAAAGAGCTACTTAGTGGTTAATAAATATAC
TTTAATTAATAATCGGTTAAATAACACCCCGAAAAGATGTTTCAGCGTCTATCTGGTGGAA
AAATAAAAAATGGAACAATGTTTCACTGTCTATAATTCTGAGAATAGCTGGGCTTATCT
ACATTTCAATTTACGATCTCGATGGCCAAGTTTCAATCGTAGACCTATAAAAAACAGGCAA
TGGGAAAACCTCCACCATCAGTCTTCGACAACCTTTTATTGGCCGATACAAGTGGTATTCTG
ATCCCCAACAGCGGCAAAAAGTATTACCACTAACGATGACAGGCAAGTGTTCGCATGG
>EP78520 (+) Dm ALPHA-TUB85E; range -499 to 100.

GTGGCGTTCATATTCTAATACGTCAGCGAATAATTGGCCAAGTTTCCACCAAAAGAAAT
GCCAGGTTTGGCCCCACCTCGACAATTTTCATCTGTTTATGCTGATTTCCCTAGTGCAATTT
TAAAAATAAATATGGGGTATATTTGGATTTTCATATGCTTATATTTTTCAACAGAAATAA
GACTTGCTTTCCAAGTGGAGACTAGTACCCAGTAAGTAAATAATCTAAAATGTTGTCAAC
AACCTACAGTGCGAATGTGAATGGATCAATGTGAGAATTCAATCCATCCATAAACACAC
GAGGAGGAAAAACAAATTCGATCAAGAGGCGACTTCTTGGTCATGTGTCTGGATGGGT
TGGGTGCCTATCGTCACCTAAGTCGATGAACGCGTCCACATTTACATAACTTCCACATA
TAGCATGTAGCATATAGCATATGCTACATATGTCTGTCTTGGGGGCTTATAAAAGAACGC
GTATCGTCAAGATTCGGTTAGTTGACTCCCAGCTGTGTGTCGCATCACAGACCAGTGCTA
GGATTTTCGTGATTGAATCTGCTTTTTTAACTTCAGCTTAACTTTTGATCATCATGGT
>EP78521 (+) Dm CG18600; range -499 to 100.

GTTTTCTCATTAAAGCTCGTTATGGTATGTTGGAATTTATATTGAAATATTTATATGTAT
AATTAATTTTCTAATATTGCAGCAAGTGGTTAAAATTGTAAAAAGCAAACATGTTACCTT
TTCTGGATTTACCTTTTACCAGAAGCTGCAAGACGTCCATAAAGTATTACCACTGCTTA
AGTTTGACACGTAGTTTAGATTTTAAATATATTCTTTTAAAATGAAAAACGAATTTTCGT
GAAACAGAAAACTATTTTAGAATTTATAATAAGTAGTCTGCTGCTTAGAACAATGATATA
TTAATCTTTCTTATGTTTACCAGATCTAGATTTAAATTTTATGAGTTAGTTTAGTCAAAG
GTTAGTAAATGTTTTAATATTAAATGCTGTGCGAAACCAATTTTCAAAATTTGAACTATCG
ATTCTTATCGACTATTCGATTTTGGCTGGAATCGGCTTTCATATCACTCAGCTTTCGTCC
ATCGCATGTCTGTTTTGTTTTCCACACGTGCAACATTTGAATTGTTTCTAAAAGCCA
GAAAAATTCAAATATAACGCGAGTAACAATGGAAGATAAAATTATAATAGAATCCGTATGC
>EP78522 (+) Dm CG11314; range -499 to 100.

TTAATATTTGGATTAATATATATCTTAAATATCTTCGAAATTAAGTGATTTACAAGTGG
GTCGATACGATAGTTTGGTTTGGTGTAATTAGCGGCACCTGTTTATAATCTGTATACCCA
GTAATTGGACTCATTTACCTTGAATATGTCAGCAGAACAGGAATGCTGCTGATATGAG
TGCCAATTAACACTTTGAAATGACTAATTAGGTAGAGTATGCCAATAAAATATGCGGGT
TACCTAATTTCTTCTAGTTGAAAATATAAATACTCTACTAAAAATGTGGGAACAGCCATA
ACTTTTTTAATATTTGATCAGAATTTTACAAAAACGTAAAGTGCCGTCTGCGACACCCTT
ACAATTCTAAGTACATTGCGATAAGGAGCTCGAATCTAATCAGCAGCCTGGAGCCACAG
ATGTGACCCAGTTCACGGGTCAAACGGGTACGTAGATAAGCCCGGCTTTGAGTCCGAGTC
CGAAGTAGAAGTGCCTGCATTCCGTGCTGGCTTTCGATCCATCATGTTGCGTCTAGCT
CGCTGCAGGCTGTCGCCATCGCCATCGTCTGATCTCGTCATCCGCTTCCGCCGAGGTGG
>EP78523 (+) Dm CG11151; range -499 to 100.

GCACTAAATCGTGGACAACAGCTGATAACCGCTGTTACGGCTTCATGTTAGGCGTTTCAT
GTTAATGTTAAAGTCTAAACTCCACACCTGTAACAGTGGGCTAACAAGCGGTGAAAACCA
AATGATATCGATACAGTTATTTACTTTTTTCTGATATCATCAAATATCAGAATTTCA
ATTCAGCTTAATGAAAGAAATATCGCATAAACGATATAAATAAAAGCTATATCTGATATG
CAAAAGGTTTTCTGTCAGCCACTTTATTTTGAATTCATGCCACTGTGCATCAGCTGGCT
AACATTTGGAAGAGAGCGAGAGAGAGAGGGAGCGGACAATAACAGCACAACAAGGCTTA
TGCGAATGCAACAGGTGCGAGTGAGGGCGACATATCGCGACCGCAACTTGCTATACGAC
CATCCCGCTCCACACAACAGGGGCGAGTGTAGTAAAAAAGCGACAATAAAATCGCCGAT
TGACGCGCTTCTGCTCATTACTTCGCGTTCGCTCTCAAAGCGTAAGCACTTTTCTTTTA
TTTCTACGACGCACAAGCCCACTGAATATTTTCTTTATTTCTTCGGAAAAACAAACCGC
>EP78524 (+) Dm CG12237; range -499 to 100.

CAGGGATGCCAGCTTGGCTATTTTGCAGCTGGATGCTATGAAAGCTTTGGAATGCTCCAA
ACGTTAGCTAATTTGTAGCCTAATTTTATTATATTCAAAGTTGAATTTTTGTTACATTTC
CTTAATATTTTTACTCGTTGGGGAGTAACCATATTATATCGTTAACTAGTTGAAAAAT
GTGAGTTCACAATGCTTTAATGCTTACACCAATCTTTACATAAGTAAGGTAAGTGGATG
AATTTCAAACAAAGAATACAGATTTAATCGAATAATAGAGCGCGTTATATTATTTTCAT
TTTTAATCAAATATAATATTTTACAACAACATATTATATTAACAACATTATATTATATTG
AAGCAAAACCTAATTCGAATTAGAAATAGAGATAATAATAAGAACAAGACAGGACTTGCA
CTATTGCATTTTTGTGGTATATAATCGGTATTTTGCACATCCAAGCGCACGCACAACGGT
GTTTGCGCCAGGCGACCTGGCATTTAGCATCGTGGGCGGCGGACACACTGGTCTCTCG
CACAAAACCTCGCACTCGAATTTGCTCTCCGCGCGCTCTGAGCGCATCCATAGCCGGAGCA
>EP78525 (+) Dm CG12703; range -499 to 100.

TTAGTTGGTTTCAAATTAGGGGATTTGGCTGATACTTATATAGTTTTTAGATTTCTTTTC
TATAATACCTAAAGGACTAAAGGTCTTAAATTTGTCTGCTCTGGTTATTTTTTAATA
TTTAACCTAATTTTTTTTTGCAATCAACGAAACATTAACATTTTATTCATTTAACATTTT
AATATGCTTAACATAAGAGATATAAAATTAAGTGAATTTTCGTAAGAGTAAGCCATTAT
ATGATTTACTTATATAACATGATTGCTCAGCAATAGTTTAGGTAGTTTAAAGCGGGGAAAT
TTAAATTTGGCTAATTTAAAAATTTAATACCTCAAATTTAGATGAACGATATTTTCGAT
TCATAATTATCGGTGATAACTTGTTCGATAGCTCTTCGTTTCAAGAAATAGCCAGATTTGGC
GGCGAAATAGCTGCCCCGCGAGCGCGCTGCCCCGACATTGTCTGGTAGCCAACACTAG
CGCACATCGCACTACAGTTAGTTGCCTGCTGGCTTTTGCCTGTCGCACGTATCACTTCGT
CAGATTTCTCGATTTGGTCGAGCTGAGTAGAGTGTAATTACCAACAAAGAAATGCGCCT

>EP78526 (+) Dm BCDNA LD22679; range -499 to 100.

CCGGGATCTCGACGTTTATACGGATGGACATACAGACGGGCATGCCAGGTTCTTAAACA
ACACTTAAAAAAGATGTTTTGGGAGAAACAAAATTAGGGACTGAAAAGTGTGAAAATATG
ACCTATAATTAACCATTCGCTTTAATTTTAAAATCTCTTTGAATAACGAAACATGTTTTT
TATGTTTTATATATGAAGTTATTTTAGCTATTTTCATTGCTAAACAGGTTCTTATAC
TCACTATGTGTATAAAGGCTATACAAATAATGATATTCAAATAGAATTCAATGTGTAAAT
GGGGTTTTTTGACCATACGAAGTTGATATAGATATATCTATGTATAAATGAATTCCTTGT
TCCCTTTTTTTCGAACATTGTTTTCAACTGTTAGTGTAGACGCAACCCTGTCTGAACATGC
TATTATTGCAATAAATTATGTGCCCCGAAATAAGAAATAAATTTAAGCGCTTCGTAGTAGA
TAACAGCATCTAGAGCTATGGGCAATGAAGGCAGCAAACATAAAGGAATACTTGTTGAGG
AAAATGCGGTGGAGACTAATCAATTTTGGACAGTTTATAACGCTAAGACGCCAGAGACAA

>EP78527 (+) Dm CG16859; range -499 to 100.

TGGCCGTGGAATTATCGATAACTGGCATAAACGGTCATGCTGCATTGAGTGCATTTGAG
TCAGAGATGACACGCTATCGATTGCACAGTTGGCTATCGATAGTGTATTTTCAATTTTTAT
AATTAAGTTGGGAGGCACTTAAAAACAATATGCACTGTTCTAATTAGCATAAAAAGAACTTT
AATCAGAATGTTATAGCACCCTGCTTAAATTAATTAATAAATACTTTCAACTCACATTA
TCTGTGTATGTTTTAAATAAAAAAATACAATTTTGAAGCAAGCCAATTGCAATACATT
TTTATAAAAAAACCATTATTTATGAGTTTTTAATATCCAAAGAAGTAAACAATGTATCT
ATACATATATTTGTTGTACATATTTATAATTGCGTTTATTTTAACTTAAAGTTATTAAT
TATATCACTGTTTCATATTAGTGTGACCATTTGCATAAAATTTACCGTTTTCCCTCAATC
CAAATGCGGCCGCAATTTTCACTCAACAGTATAAGACCCCGTCGGCACAGGTATTCCACAA
GATTCTGTTATTCGCTTGTGTAATTAACGGATGCGGTGTCAACTAGTAAAAATGCAATAC

>EP78528 (+) Dm C5P3; range -499 to 100.

AGTGTCCCTTCTGTCCCCGCACCTTCAACTCCAACGCCAACATGCACTCCACAAGAAGA
AAATGCATCCGGTGGAGTGGGACATCTGGCGAAAGACGAAGACCGGTAGCTCACAGAAGG
TCCTGCCAGCGCCCAAGTGGCGCAATGTTCCGGGACGATGCCGATGTCGCAGCTATTG
CCAATGACTATTCGGGTTAGGCCCGGAAATGCTTAAGGAAATCGATTTGCGGAAACCATT
GCTTAGTTTTGATTGACCTTTGTTTGAATAAATAATATGTATAATAGGAATTATTTG
AAAGTACGAGCGGTTTGTGTGTCATATTGGTGGGATTTTTGGCTATTTACATTTTAATTA
GTTTTTTGAATTTAAATGTTTCATTTAGCTACATTCAGAAATATTGTTTTTGAATTTAAA
AAATTTACAGTGTGAATGTCTTGAATTTTTCAATTGGAAAAAAGGTATGATGGTTGAA
GTATCCGCTTTGTTTATTACAGTAGACTGGTCACACTGCCAGCTGCTAAAATAATAGAAA
ACAGTCTCGTGGACAAACATTTAATTAATAATGAATGTAAGCACTTTATTAACGAAATCT

>EP78529 (+) Dm KISIR; range -499 to 100.

TCGTACCTGGATGCCCCACCATACCCGAGTCACGCTATGCGCGGCGCACGCCGCCAAG
GCGCTGGCCAAGATAATGGACTACGAGAGCGAGAAGATAGTCAACCAGATCAGCACTCGT
CTGGAGGGCTCGGTGTACGTGCGGCGGCGGCGGACAGTGACGAGCAGCTGGCCGAGATC
ATCAACGAGGAGAGGAACTAATCGAGGCGGATGCCGAGGTAATACACAATTTTCGGGAG
CTCGTGGAGAGCCGACTACAGCGATTGGATAAACGGCCCTACGAGAAATACGTACGTACC
TTCGGGCCGCAATAGGAAGCTGCACGTGCAATGTCAAAGTGCCGCCATTACTTTTAGAAT
TAATTTAGTTTATAAATTTAATAAATAAGTTACCGCTACAGGGTGCCTGCGGCACTTTCA
TTTTCTCTTACTGCGCCAGTGTGACCACCTAGCCCATGCACTGGCCAGCGATAGCCCCA
TCTATCGAGCCACTGTCATCTCTAGCAGCACAGCACGAGTAAAGGTCAGCTCTCGTAAC
TTGTCTCGGAAATATTCAATAATTCCGAGATTGCCGTCAAATTCGAGTCGTGTACTTCA

>EP78530 (+) Dm CG1919; range -499 to 100.

ATAGCCAACCTTTTTCCGATCATGATTTTCAATTAATACGCCTTAATAATGGCCAATTT
GATATGTTAATACGAGTATTGATTTTCAAGAGATAGAACTCGCATTAAAGTGAGTTTTCCC
TTCCATTTACAATTTATTTGACTTCGATTTGCATACATCGCCGTTATCTCAGAAATCA
GACAATTTCCAAAGACAAACACAGCCAGCCAACAGTCGCTCCACATCTGAACTGAACTT
CACTCTCGTTTTTTTTTCGCTGAAAAGCATTAAATAATTGTGAATTGTTGGTGGGAAGGG
GGGGCGTTGACAGGGGCGTTGTGGGGCCCTCAACTTCTTGGGCTTCGCTCCGCAAAGCTCG
GCTTTGGCTGGTATTTTCAATGTAGTTTTGTTTTTGGCCCTGCTGACCGACTGGCATTTCGG
CTTTTTGTGACTCGGCTCGGTTTGGGCGCTCGGGCGTTGTCTTGTATATAAAGCGGCT
TCCTTCTTGGTTCTAGTTATCAGTTGAATCCAGCTCAACGTACAGCACACACTCGCGTCT
GCAAGAAACAAAATCCCAAAATCCAAACAATGGCATTCTTCAAAGTGAGTGAACAGGAC

>EP78531 (+) Dm CG10671; range -499 to 100.

CACCACGGAGAGATCATTGTGCTTTCCCCAACGCGGACGCACTTCTGGGAGTTGACAAAC
CCGCTTGTGTGGCGCCGCTGCTGTGCCAGGAACACCGACTTGAATAACAGCGAAGGCCA
TCGTATAAACAAGCGAACAATAGCTTTTAAATGGGCCTGTTACCTCACCTGATTTCATGCC
GCGTTAACGAAAGCCACAGTGGGATCGAAAAGGGCACCACCGGGCTGGAGCGAACGAAC
TTGTGGCCATGATTGACGGTGAAATGATCCAAAAGGTTTTACGAATCTCGCGCGCTGTC
AGCACGCGCTGCAGCTGCTTGGCCGAGTTGTACATGCCGAGTTCAATTAAAACCGCAC
GGCAATTAATAATGCTCGAGATAAATCTCAGGCCCGAACAGCTGATCACATGGCTTGCCA
TTCGCCACGAAACCCGCTCTTTATAAAAATCCAATCAGAGTTGCCAGTCACAGTGAAGC
GTGCTCACAGCTGCAGCTGTTCTATTTTTTACAGGCGCAACACGTACATTTGGGCCAAA

ATAAGAATTGAAAAATTACAACCTGAGAACAACGCAGTGGGTGCTCTAAGCCCCGGCGAAAA
>EP78532 (+) Dm PM14; range -499 to 100.

AAACGCTTTTCCGAGATAAGTTCTGCGTTGCCGATACCCCTACTTACCTTTGGGTGT
TGGCTGTGCTTTAAACTATTTTAGTTGGAATTTCTTAAGATTTTGCCTAAATTGTCTC
TTTTTTCACCTTTCTTTGCACAATTAGCGAGATGTATACAGTGTGACCGTGCAAGAGAG
AGGGAGTATGCTATTTTTTATTAGAGATGGCAACGTGTCGTACGGGTTTTAAATTATA
TTTAATGTAGTTGATTTTTTAATTTATTGTGCTTAATTTAATATTTTTAAGCAGCTTAAA
ATGTTTGAATCACTCTGATATATAATTTCCGAACAACAAATTATTTTATTGCCAAAATGA
AAAAAATGAATATTAAATCAAATTTTGCAGTCCAAAGCTGCTCCGATGTAAACGAATTC
CTCTCACATATGTATCTAAGTGCTGCTGCACGGTCACACTCGATACGGCTCTCGAAATGC
GTCCACACTCTCGCCATTTAGAGTGCCACATTGCCACCCTGTTCAATTTTGTGGGT
TTGAGGCCAGACAGAGGAGTCATTAATTTTAAACAAAGGACCACGCTTCAGGACATTCAT
>EP78533 (+) Dm CG6906; range -499 to 100.

CTGTTAATTAACAGTGTAGCCCATAAAAAGTTTGTATTATAAGACATGGATAGTAAAA
ACTCATTACTGGGGGATTTCTCAGTTGCGATTTCACTCAAGACAGTACTATTTATTCTAG
TATCCAGTTGAGTGAATATTTTACAAGTAAGTCAAAGTAACCCAAATGCTTCAATTCA
ATGGCAAGGTTAGGGCAACCTAAAGTCATCCGGATGGTTAACCTTTTAAATTTCCATCGA
CACCGGATTGTGGCTGGCGTTTGGTGGCTTGGTTTGGTTGGGTTTGGTTTCCCTTGGCT
TGGCGCCCAATAGGTGCTTCTCTATCTCTCGAGTGGATAGGAAAGTTCCGCCGACCAC
TGGGCTTCCAACCTCGATTGGCAGCTACGAAAATATATATATATAAAAAAATGGAAAAA
AAAAAACGGAAAATAACACAGAAGCACCACAAACCCTCGACGAGGCTATATAAGTTGCGG
TGTCGCCGATTCCCTAACCGCAGTTGTGTGACCGCTTCGGCGGGTGAGCACGGATAGTA
AGACAGTGTCTCCACTGTCAGCTTAAAACCGTTTCAAAGCCACTAGATTTGTGTGCCCCA
>EP78534 (+) Dm CG9779; range -499 to 100.

AACACATCAGAAAAACGATTGTGGAATTTAATTTATACTAAAAAATATTTTAAAAAAGT
ATTAATAACATTTAATTGTATTACGACGGATATAAAATAGGATATTTGAGAACATATATGC
ATTTACAATAAAAAAGCAAATAAAATATGTTGTTCTAGGCAATCGAAAAATATTTATAAA
TAAAAATGAAAAAATGAAAATTGATTCCACAATAGTCGTTAAAAAATGTAGTATCGGTAT
TTGGCATTGCATTTTTTTCGAATACAGTCTCGCTTTATATATGGAATATTTTAAAAATAT
TTTCATAAAATCGATAAAATGAAAAACAATTACGTATTCTAAGCCAGCATACGCAAATAA
TAAAAATTTATTTAATAATCGGTAGATTTAAATGTTAATGTCCTTATAAGCAATTTTAAAC
TTAATAATAAAAACTCTTTAAATATATCGATCTATCGATGATTGGCTATGCTAACAAGAA
GTCATATATATTGGCAACGCTGTGTTTGTGTCAGAATCAAAATAAAATGACTCACTTG
TTGTTTTAAACAAAAAAGAATTTTAAACAATTCCAGACAATTATCATAACAGTTAGT
>EP78535 (+) Dm CG2091; range -499 to 100.

GCAGTTGTCCTGCAAGTCCTTCGGCATAACCGACGCCAATCTCCTCGCTTCTATCAGCA
GAAGCTGTGCGACATACTAGCGCCAAAGCCCTCGAAGGGAGTAGTTGTGTAGTTAGCGTG
GCAGGCGGGGTAAAACCAATTTTAAATATCCATACTTTTGTTTACATCGGCTGCAGGTG
TAAGTGCAAATTGTATGTTAGTGTTAAGCTCAAATAAATTGCGAATGTTCTGAACATGAT
TGGCGAGCACTTAGTGTTGTAGCCGTTTGTAAAGATACATATTCTAAAGATCATTAAACAG
TACTTCAATGGCCTATACACAATAAATGAGAATTCAACAACGATGTTTGGACTGTATTAA
TTTGCTGCATCTAGTGATCTAATTTTAAACATTTTTTCAACTCAACCGGTTGCTAAACCG
TTTCAGCAATGTTATTTAACAGGGTTTGAGTGCTCGCTAAATGGACTTACGAAATGAGTA
TGGAATTTTCGTGCAGCCAGTCATGGTCACGCTGCCTCTCTGAAAAGCCGCAAGAAAAAT
AAAAATAAATATATCTTTCTAGCTATTATTATTGTTGTTATTATTAACAAAAATGTCGGA
>EP78536 (+) Dm ALPHA-EST1; range -499 to 100.

AATGTTAACAGCGAGCGATAGAAGTAAGCAGTGCAAGCAGTGATGTTACCTGCGCGCGC
AGCTTCAATTTAAATGCTAACATGATTGCTTAATAACGAATGCATATTTTTTGCCTAGAC
TATTATGAAAGCCATTACGGTGACATTTGCATGACCTATAACACCGATCGTAAATGGGAT
CTGGCCGGTTTAGCCCGCTCGGCCGTCCACATGACCTGCGACTTTATATCACTTACGAGA
GCACGCAGAGTGATCATTAATAAAGCAATTACCCAGAAGACGCGAAACAGCTGTCTTCTGT
GAGCAGTTCGGTCCGCTCCGCTTATCAGTCGCGATATTCTACTCCAATATTCTGCGCCAT
ATGTTTTCGCTGCAGCGATAGCAGCAACTCACATTGCGATAAGCGGCGGTCTGATTAAAG
CCGCTACTGAATCGAGGCTGTGCGGGCTTACTGGCAGTCGAACTGATGGATCCGATTGT
TCGGTTCTCATTGCGCGATTACAGTTGTTTCTCGTCGATCGCGGCCCGCGGAAGTGTTTAT
TTCACTATCGTGCCCCGCCGATTGTGCCGCCATTCTGACCTTGAGTCTTCTGCTCAC
>EP78537 (+) Dm COXJ; range -499 to 100.

GACCAGACCATCAGTGGACTCGAAGTAGTTTCTCCAGTAGGATCGCAGAGACTTCTGGCC
ACCGACATCCCACATATTCAGGGTGTAGCCGTTGTGCTCCAAGGTTTTAATATTGAATCC
CAGTGTGGGTGAGATGGTGTCTATGGGTTCCGCTTAAAGCGCTTCAGGATTGTCGTCTT
GCCGGCATTATCCAGACCTCTATAAGAAAGTCGATACATGAATCACTATTTATTTTTTA
TAATTCATGGAACCTCACAGCAGTAATATGCGCATTTCCCTTTCTTCTGTGCGATCTTT
TTTAATACTGTGAGGAAGCCCATGACAACGCTGTGATTTTAGTAACGCTATGGAATTATA
AACAAATGTTTTTATTGGCAGCTGCTTAAATGTTTATTAACTAAATAGGAATTTCCAG
GTGAATGCCAAACTGCTGGAAATATCGACATCGATGTATCGATAATACATCGATATATCT

CCAGTTGTCAGCTGTCATATTTTCAGACCGATATTTTTCGCCCCAGGAAAACTGCTCACTTT
TTGCTAAATCTTAAAAATAAACCCAGCAAAATGATGAACCTGTCGAGAGTAAGTAATTT
>EP78538 (+) Dm CG14722; range -499 to 100.

TAGGTTGACTCTGGGAATTGCCATCCAGGCCAATGAAGCTGCTAAGTGTGAGCTGTTTTT
TTTGCGCGACAGGCTTCTTGACATCACGACCAGCGATTTAAACAGATGTCAGCGCTTTA
ATTTGCATACAAGTAAACAAATAAGTAAGCAATACAATTTTATACACTTTTCGGACTA
AAAACCCGCGCAATATGCCAATGAAACAATGCGAATAGGAATTAGTGTGACCGTCGGTC
CACCTTTACATATAGCTGAAACATCAGAGTAACCTACTCAAATATACCATATTTAATCC
GATAATATTTTAAAAGATCATTTAAAGAAAAAAATTGTAAAGCGATGAAAGCGCATCGC
ATGACTTGTATTGAAAATATAAAGTGTAATTTGATATATTGTTGTGTATCAGAGGAAAAAC
ATTTAAAAGCGAATTTAGCTAAGAAGTATTTTGGCCAACCATATCGAACAGCTGAGT
GGCTACATGCTTTCTGCTTCTTCTGTTCTCGTGGTATCCAAACAATATCCAAACGTGGT
AAATAAAAGCGGATATTTTCGGAGCTTGGACTTGCAATATTATGCACACGTGAGTAGTTT
>EP78539 (+) Dm CG5003; range -499 to 100.

CAGTAAATCAGGCACAAAAATACACGAGACGGGTGTAGAAATTAGTGAGGGCAGCACGGT
GTTTTCCAACACTGCTTGCTAGTAATGACAACAGGAATCTTATTTAATTTAATGTGTTTA
TTCTATTTGTATAAATCTTTTTTATGTCATGCACATGCGTAATGCGCTTATTTTTTA
AATTTTCATTCATAATATGCAATATTTGTTTGAAATAGGAAAAATAGCAAAATAGGCAACTT
TATTATCTACATAAGAATTAACGATTATTAAGTACTTGTATTGTTCCCATTTTACCAG
ACGACTCAATTGTATAACTATGAGCAGCTAGTGCCACCGCTTTAGTATCAAATCGTAAT
AATCAAGAAAAAAATAATATAATAAAAAACGACATTAATAATACCGGGAATTCGG
AAGCCAGTTTCATCTCTTCGACATAGGAATACCCCTACTAGCGGCTTATCTCGGATCTG
ACTGCGGTACACTTGACCAATTGCATTTAGCTGGAAAAAAGCTGCTGGCGAAAAATTGG
CAATAAAGTGACAGGAGCAGCCCAAGCATGGAACAGGCCGAATTGGGCAGTACGTGCCTTG
>EP78540 (+) Dm CG1783; range -499 to 100.

TGTGTATGCTTTAAGAAATACGCATCCATCGATAGATCAAGATAAAAGTATCGGAAATAA
ATTATTATATTGTGTTACACAGTTAAGTCACTAAGGCCATTTCCATTTTACATAG
CACAAAATTGATACGAAACGACAAGAACTTCAATGACAGGTGCGTATCAAACAATAGTGG
TTACAAAACCATTTCTATAGCAACTCTTTTGTAGTCAAGGGGCACCTCCGCTTTTCGTGGT
TATCAATGCCTAAGCCATTGAAATATTATATTATATTATCAATTTTATTACATCAATTC
AACTTTATATTCAACAATATGAATTGAAATTTGGTACAGTCTGAAATATGCGTTTATAC
GAGCGGATAATTTAATTGCTATGATTTCTCAATCCGTTAACGGTTTCCATTCGTTGCG
AGTTATTAAACGATTACTTAAGAGAACTGATTACAATTTTATCAAAAAGAAATACGTAAA
TGATATAAATGAAAACAAAAGTTTGGCCACACTTTTCAAAAAAATATGTATACAATTAAA
TGAAAATAAATATGAGTTTTGGATTTTAAGCATCACTATGAGTATTGCCGACGTGGAGTA
>EP78541 (+) Dm CG12121; range -499 to 100.

GGGCAAGAAGCTCCCGCCAGGATCACTCTGGGCGATGGCAAATTTAAGCCGCGTCATGG
ACTGTACGCAAGGAGGAATCTCGGTGCCTCTGACTCCCACAGTGGCTACATGGAGTGAGG
AGGCCAACATGGCCGAACAACAAACATTGTTTCTTGTCGCACCTAATTAACAAGTGAAA
ACTATGTGTTAAATATATAATCGTTTTCTGTTTCATAACTTGTTTGCAACGTTTTCAAAT
AAACAATATCGCAATCGACTAAAGTATTAATTACATCTGATATTTTCAAGATCTAAATG
GCTAATTTAGTTTGATTTTAAACTGCTAGAAATGTGTTCTAAAATTTGAATTCCTGCTG
CCGCTGTTCTTGACTAAGACTTAACGGCAAAACGGCTGTAGTGGCAACACTGCGAACCC
CCCCACTCGTGTGGTATTTTTAAATCGATAGGTCCGGTCAAATAACACATGCTGATATCG
AAGAACGATAGACTTCGATAGATCACCTTTTTTCCCCAGCAAAAAGTAAAATCTTTG
GGGTTTTTATCAAGGTGAGGTGTGAATAATAGGAAGTGTGACGGCGGTGCGGCAATCG
>EP78542 (+) Dm CG2691; range -499 to 100.

TTTTGCATTGTTTTCTGGTCCCCTGTCACTTGCAATTCAATGGCTTAACAATGTCACTG
TTGCACGTTAACAAAAACACTATTTTGGCAGTATTTGCGGACGCTGTTTCTATTTGCT
TTCTTCTATTTTCAACTTGTTGACAGAGCTGCCAGACCGGCCACGTACGTTATCGACA
TTCTTAAGGGGAATATCGATAACAGGTTGGTGTGTAGCTAATTTGATATCGTGTGGTGT
ATAGCTTGGGTGGAATTCACCTTGAATAATCAACACACCCCCACTAGTATTTTAAAT
CTTTTAATCAAAAAATATATTTTATATTTGGGAAACAGATATTTATGCTTATTCAAAA
GCACACAAGTATTTGTGGTAGGTAGCAGAGCAGAACTAGCCAGGACTGCAATTCAAAGT
GGGGAAGTGTATTAGAAATTTACAACGGTACGTATCGAGTTTGTATCAGCCATTTCGATA
GCAGTTTCGATTGTGAGTTCTATCGGTGAGCGGGGACACTGGTTCGCACGTGTTGCGAT
TTGCGTGCATTGAGTATTTCTGTTTCTTTCGAGCATTTCTCGCGTGGGGGATCATGGGCA
>EP78543 (+) Dm CG10997; range -499 to 100.

CGGTGGTATTCTTTTTGGTATATTTAATAGTACAAGTGTATATGTTAGAATAACTATAA
TAATGTCTACAGATGGTATATAATTTAAAAGGAATATTTGATAATTAATAATTAATTT
GAAAAATTTATATAGATAGCAGACTAAGAAATATTTCTCAATACCTAAAAGTTGTTATA
AAAACAAAGAAATAGTCGATTTCCCGAACGCGAAATTTCAAAATTTTATGGAATATC
GATATATTGGGGAATAAATTGAGAACAATGGGAGTTTTGTAGGTATAAGGTATTTTGG
TATTACGCAATCTGTTATTGAAATGTCCCAATAACAAGTGTATTGAGAGGGAGTTGTAA
GTACAACTTTAAAAACATTTGGTATTAGCTTGGTATTTATAGGCCGGCCGAAAGGCAGGA

CCGTCTGGTAACACTGAACAGCAGGCGTTAGTGTATTTTCGCGCAGTGCGAGATTGGTTTAT
TCAGCGGCTAACCAATTCAATCGTGAATAGACTTTAGCAGCGCGCAAATCGTAGAACAGA
ACGGCATATTTTTTTTAAACTGCGAGGCGAGCTTCTTCTCCCTCCGTCTCTCTGTGT
>EP78544 (+) Dm BCDNA GH02678; range -499 to 100.
CTTTAAATAAAATAATTAAGCGCCTAACTGCCTATAAATTGGAGACTTAAAAACAACT
GTTTATATAAATATTTTAATTGCGCGTATCGATAATGTATTATTGTTATCGATTGTCAGA
GCTAGTGGAAAAACGCTAAAATCAGCTATTTATGGCGATTAAAATTTATAGGAATTTAT
AGCAATTATGAAATATCATATATTAGTTTTTATATTGTATTCGTTTTTAAATGAGCTAAG
TCCATTTAATATCGCTTGCTATACACTTAATCATATAACATATGAGTTCGAACTCTTTT
AAGTTAAATAAAGTAATGTGAACAAATTGTCATATTGTCACATATGTGAATTTATTAGAG
CTGGATTTTTGGCTACACTTTCAAAAACCGCGCCAAGTAATTTACCTTTCCATGTGTGA
CCATTGCAGCTGCACCGCAATCTAAGGCCAGCCGCGCTGTGGTCACACTGACAAATAA
AAAAAACAAAGACGTCGTCATTGCGGTTGGAATTCACAAAAATAGTTAAGTTTTCTTT
TGTTTAACACCTGTCGAGTTAGCCAGCGAGTTAGTCAGTGACGCTTGCCGGAATTCAGG
>EP78545 (+) Dm CG7556; range -499 to 100.
CACAGCATATAGAGCAGCTTCATTGTCGTCTGATTTCTTATTCTTATAAGAGTGAAACGT
CGCGTCGCTTCTATTCTATTGTTGACAAAGTGATGCACCATCGAGAGCTTATCGATAAC
AGTCGACAGTGTTGGGCGTTTTGGTTTGAACAGGTGAAAAACGTGTATCAAGTTAAAC
AAAATTCGGTATAGAAAGAGAATTTGTTTTATTGTTTTAGGAAGAACTTGACAAATGTT
ATGAGCAAATTTAATGAGCAAAACAAACGAAATCTGTTTGACCTACTGTGTGCTGTAGT
TGGAAAAAATTTGTAAATTTGATTACATATATATGGTTACAGAATTAGTGAGTAA
ATTATTTTTGAACAAAAAACAGAAATTCGTAATAAATAATAGAAACGTTGCAATA
TCTTTTTGTCTACAAAACTTACCAGAGTGGTGGCAACGCTGTCGACCGAGCGACAGTC
TGCTGACGTTGCCACTTCCAGCTGAGCCTATCCGTGTTTGCTTGCGTGTGTGTATT
GTGGTGCGTGCGTGGGCTGCGCATTAATTTGGATTTTACTCCGATTTGGACCTGACC
>EP78546 (+) Dm TOR; range -499 to 100.
TGGAAATCAGGGAAGTGATCACGCAAAAGCTACAATGTGGGCGAAATTAGCATAGTTG
TTTTTTGGTTAATTTGAATATTGGCGCCCAACATGGTTTCTAGGGATGGAAGCGACCAG
CACTGCATTCTGATTTATCGGTTTGTGCAATACAAGCTCTTTGGCGCAACAGATCATA
GAAGATTGAAATACAAACGTTGTTGGTGGTATCACAATGAAAATTGCGAAGAGTTATCT
GAAGTCAATGTTCTATGCTTATCCCAAGCCCTGGCGCTACTATGACGGAGTAGCGATCCA
AATTTTTGCATTTCAAATGACCCCTAGTCCAATCCATCCATACGATCAAGTACAATACG
ATGCAAGTGAAGAGGTGAAAAACAAATCAAAACAAATAGCGCAAAATATATTCAACGAGT
CCGCCGCTTCTCATCATCTCTCTCTCTCGTCTGTTTTTACCATCGCATTTTTTGGCCTC
AGTTTCTCAGTTCTTTCTCAGTTCAGCAAGATAATCCGAGAAGGACGGATGGTATTGATC
TCGAAAGTTGGAATCTAGAACTAAGTATTGCAATTTGCTGTGTGTATTGAGTTTTG
>EP78547 (+) Dm CG13333; range -499 to 100.
CAAAGCTTGCGAATTTAGAATTCCTCTAGTTTCTAAGAGATCTGTGACTGGATTTGATG
GCCACAATTTGTACCATACGCGTGGCCATCGAGTGTTCCACTTTAAGGTTTAATTACGAT
AATAAACATGTTTTAGTTTGTGAAATATACCACGGAATTTGTATTTATCTCTCATCT
GGAGGAGACTCTGTTTATCTAGGTCTCTTTTTAGTTTCTTTGATTTTCCCCGTTTTCT
TAGCCCTTGAAATTCGAATCCCTCATGAAAAACATTTCTTTTGTTAAACAAAAACAGGT
AGCGAAGCGTAATCGCATTCCTGCTCGTCGCTAGGTGGAAAAATCAATGGAAATGCGTG
ATTTTCTATGACCCAGCAGGTAGGCTTCCAAGCACGTTCCCATGAATTCAGAGGTAGCAC
AGATGGTGGGTTCCCTAAAACGAGATTTGCGCCAGAGTTGAAAGTCTACTTCAAACGGTT
TTGAACTATCTCGTTGGTTAGTTGTCTTAAACATTTGAAGTGAACGGTATGATTGGTGT
GCTAATGCGTTTTCTCTGGTCTTGGCCATGGTGCAGTGCATCCAGGCTAGAGTGTCGAT
>EP78548 (+) Dm BCDNA LD21177; range -499 to 100.
GAGGAGATCAAGCGGAGCAGCGCAAGAAGTTTCTGCACCCGAAGCCGCGCAAAACCATC
AGGCAGGAGGAGGATGTGAAGAAATGCAAAAAAGCGTCTGGATGCTAAGTTAAAGGAAATG
CAGTTGGGGCGCACTCAAAAAACCGGAGGAGTTCCAAAAAGAAGAACGGAATAG
GAGGGAGTATGATTATGTTAGTTTATTAATCTTTACAAATACAATGTTCTCAAAGGTG
TTTCAGTACAGCAAAATGCTATTAATATCGTGTTCAATTTATTCTGATATTCTTATT
GATACCATCTTTTTGCTCATCTGCACATCTTAAACGCTGCTTGTGAGGACCAGCAA
TCTCTCTTAAACTGACGTAGCAGAGCATGCCTGGGTTATTTAAATAAAAAATAAAAC
CGTTATCAAGCCATTCAATACATAGCCAGTGTGGCAACTCCCTGCAGCGCTGCCACCTGC
CGACAACCAGCTGTTGCTCACAAGCTGATGAACTTTGCCGCATTTGCAAGTGCAGAAGC
GACTGGCTGTTTATACGTGCGCATATTATAGAACGGATAGATAATGTCGAAACGTGGGCA
>EP78549 (+) Dm SIP1; range -499 to 100.
TGCAACCCAGTGCTTCTCGTTTCATCCCTCTGATTGATTTCCATACAGGTAATGCAGTGGC
TTGGAAACATCGTTGGACACTGCTGATAAGAGGACACAATGGGATTAAGGGGCCAAAA
GTGAAGACAACAAAGTGATGGGTTTTACGGAAATAAAGAGCTTTGAAACAAAGTCATCAT
ACGATAGGCCATAAAGTGGTGTAATTTCTGGAGTTAAATAAATAATAGCTAATAAATTG
CGTTAAGCGTATTGGTTGCACTGCTTAAACATAAACATTTCAGAACATTCAAAAAGTAG
TTCTTTTAGTTTTAGATTACCATTGAAGCCGAAAAATCTCTCGCCCTCGAACTCCCG

TGAAACTCACCACAGTGATCTGCGGACTTTTCTACTCTCTTTTCCACCACGCTGGCCCAA
AAGTATGCAACACAACACACATAACGATCGGGCTTACTTCGGCTCTCACCTGCCGCGGA
CGTTTCAGCAACCGAAATCAGTTACGATTTGCCGCGAAAGCGTTAACACGTTTCAACG
GATCTTCAGCGTGTGAGATAATATTACATACGTAGAAATAATATCAGGAAGGCAGCAGCA
>EP78550 (+) Dm CG7729; range -499 to 100.

TGATTACCTTGAGCCCATCAACAGGCAATGCGGTAGTGGCTTATTTTCTAAAGAAATTA
AAAAAAAAATCATTCTGGGCTAAGCAGTTTGTGTGTGATATAAAAAATAAATATCTA
ATAAGTTAGCAATCAATAATTATAGGGCTTTGTGTGATACTATGAATGTCAGCGTTCTGA
AACATTTTGTCTTACTAAAATCTGCATGCTTAATCTAAAATTCTAAGCTTTTGAATTTT
TTGGGACCTACAAAAATGCAAAATTATTAAGGTCCTTCGGTTAAGAATTTAAAATTATA
GTTCAAACCTTAAAAGGCATCCCATTAATTTGAATTTCAAACCTTCTTCGCGCCCATAAAGT
TAAATTCTAATAGGTGTAATCTAAAACAGTAATCGAAAAATATCTTTTCCATCTGGTA
CACCGATCAACGAAATAATCGATAGCGATTTGGAAAACCAAGTCAGAGATATATCGATAC
CAGAGCGAGTGGGTAAACAGTCGGTTCGGCGCTTTCTTTTCAATGGACTGAATTTTCT
TTAATTGCTCTATTTACGCAAGCAAAACGAATCGATGCAATTGTCCGGATCCGGAATAT
>EP78551 (+) Dm CG14657; range -499 to 100.

TTACACACTCTGATAACTACCTTTTTACACTATTACCAAAAAACAATAGAAAAGAATCAAT
TGGGCTTACCAATTATGTTATGCCGAATAACCTTTCTTAGAAAAACATTTATTTTATTCGG
GAAAAACGATGCTTGCAGGATTTAAATTCTAGTAACCTCCGCTCATAAAAAAGTTTCGCTCTG
TTGTAATCTTGTTTAAATACCAAAATGCAAACTGTCCGATATCTTTCAAGTGATTGG
AAAAAAAACGTCGAATAAATAAGGCATTATTGAAAAATGGAACAGACTGCTTCAGTCAAA
CATTTTAAATTGCAAGCTTTCCTCTATTTTTTAAATTCAAATATGGCGGACAAAAGCTTT
AATAAAAAATAATCGAAAGCACACATCAGTCGCATAAGATATCGGTAGTCGTTAATTTCTG
TATTTTCTAACATACTCTGGTAACCTCTAAAAATACAGGCCGCTTATCGATACCCGACT
GGCACCACGTATCGAAACATCGATTGGCCACAGCTGCTTGTGAATGAAAAAGCGTAATA
TCGAATCGTACAACAAATTCGCGATAATCCACTGCCGCCGCTCCTGCAAAATCACAGATC
>EP78552 (+) Dm SDH-1; range -499 to 100.

TTGTGCTCATTCGTCGTTCCCATGAGAAGAAACCTTATTGATTTGAGACGAAAACGATA
TTTATGTTCATATTTTCAGACGGATCCTGTATCGGGTTTAGATTGTGGAAGGAAAGGCT
GGAAAAATTAAGAGAGAGACAGAGAGATACAAATGAGAGCAAAGTCCTTCGAGAATGGTTC
GATCTCGATCTGAGTATGCTAGGCATGATACGATCTTGCTAGATTTGAGATCGATTTT
GTTTTTCTTCAAGTGTACTAACTTCAATTTACCCCTTCATCTAAACGTTCTAACATATA
AACAGGCACATGCAAAACACACACCTTTTAAACACACATCCAGCTGTACTCAAGTGGTG
ATAAGGCTGATAACATTTGACACAAACGATAGTGGGTGTGGTGCCTATTATTTTCTCTAT
CGCTGGTCTACGTCACGCTGATAACTGATAACCGCAATTTCAGAAGTCCACTAGTGTA
GGTTTAAATATTTGAATCAGTTGTGAATCGGCTATTTCGAGCGTGTGGTTATTAGAGCTC
TCAAATAATTCAATTGACACATAGAAATGGCCAAGGATAATCTAACAGCAGTGTGCACG
>EP78553 (+) Dm NP15; range -499 to 100.

GACCACGTTTCCAGAACTTCGGCGGAAAGACCGTGGCAATGGTATTCCTTTGGTATTCCT
ATGCGCACAGTGCTCAGGTCAATTTGCCAACTTCGGCAGATGTAACCTGGTAAAAGGC
TGCTTGATGGTTGTGGAGTCCAGTTTATCCGGCCCTGCCACTGTATTTCAGTACCGCCACG
CAATCGCTGACGGAGCGGGCAAAAATGCCGGGCACGTCCATGGAATTGACCAGCGGAATA
AGACCGTGGCGGGAGACGAGGCCGTAGGTGGGCTTTAGACCCACCACGCCGAGTACGAA
GCCGGGTTTCGGGTGGAGCCACCCGTGTCCGAACCAATTGCTCTGGAATATAGAAGAGAA
AATTAAGAATATATTTAATATTTATTTTCGAGCAAAGTTTCTAGGAATTCAAATTAAC
GGTTCTAGGTAAAAATACCGAAAAATACCGCATCGAGTGGCTACCTCTCGGCCAGCTGA
CAAATTGCAGCAAACGTTACACTGCGCAGCTGTGAGAAGTCCAGCGATCAAGGGAAAAAC
TCGATTATTTACGAAATTTGCGACTGAAATTTCTTCCCAACGCGATGTCTGCGCTGTT
>EP78554 (+) Dm CG6478; range -499 to 100.

CTTGCATCATGTCCATAAATCAGAACTAAACAGATGTGTGAAAAACGATTATAATGACTA
AACGATTGTCATTTCAGTCGGAAAAACCAAGTGCAGATGTCTACATAAAAAACAAGCTTTTA
GCCTTGCCGAAGAATTTGTCAAAAAATGTATTTATATAATACTCGTACCTAATTATGA
CCCATCTGCATGTTAACTCATTCCGACGTGCTCGCGACATATTAATTTTATAATTCAAT
ATGAATTCCTGTAACTATTGGACGAACTCGAAATATTTGAATAACCCACGACGGCCAG
ACTCTGCCATTGAAACGCAACCAAAAAATCCACACCGAACATTAAAAAAACAGAGGA
AGCAAAAACCTTTGTAGGCGGCAAAACACAGTGGCTTCAAAGAAATCTCCGTGCAGCAGA
CGCCGCGGCGGTATCTTTGTCTTTATCAGCCTCCAAGATGGATTTGTATAAATAATAAAG
ATCGCTCCTAGCCAGAGACACAAGCAACTCATACCTCAAAGCAAAAGAACAGCAATCTG
CTTAAGATGCGCGCATTCATTGTAAGTAGCGCGGTTAAGGATTCAAAGGATTATACGCCA
>EP78555 (+) Dm CG9747; range -499 to 100.

TATTTTCGGTGCCAGCTCACAAGTGAACGTGGAGCTTGCCCAATATTTTTAAACCTTTCTT
CGGAGTCTTGGATTTCCAGCGGAGACACAGTTTGACCTACTGATGCATGACACCCAAAGA
CCCACACATTTGGCGTAATTTTCGAGGTAGCGTAAATTCGGATTCGGAGCTGCTGACTGCG
CTGCTGATTCTGCGGCAAGCTTCGCTCCGATCCGAAGTGAAACACGAAGCTGTAGCCGA
AGCCATAGCCGAAGTCAACGGCTACAGGTGCTGCTCGAGCGTGTGTGTGAGGTGAGGTGG

TGGCATAATCTTGGCCTTCTTGGCCATTTCTGCTCTCCATTTCTTTTCGTTTGGTTACCT
TTGTGCGTCGGATCGGAACTCCACTCCGTCAGTCAGTCGGTCAATCAGTCAACTTTGGC
TCAGTCGCGTCGCTGCCGGGTGAGCAGCTCCAGCAGCGGCATAGGTAGGTAGGAACCTA
CACATTTGGCTACGATCATTTGTCTACGGAACGGCGCCGCTTGAGTTCGTTAGACGCGA
AAAGGAAAGGAAGTCTTGAGACGCCGACGAAAACCCTAAGCGAGCCGCTTCGCAGAAGT
>EP78556 (+) Dm CG3446; range -499 to 100.

CTTGAGATTGCCAGTCACGTTATCCTTTTTGGAACGCATTGGAATGAACCTGGAGTCCC
AATGGACTTCGAGTCCCACATAGAATTTTAGCCAAATAACGTCGTTGAAAGGCAAAATG
ATGGCCCAAAGAGCCATTTCCGAAACGGCGTACGAACATTACTACTTTTAGCTGTAAATA
TATACGATATTTGGAAGTTTCTAGTTTCGCTTTTTCTCTGTTTTTGGGAATGTGAAAGCT
AGTGATGTAGGATACAAAAATTTATTTTGACAGGAAAGCGATTGCGATAAATATAGGGAT
GGTATCAAACAGTTCGGAATACTGTATATACTGTAATACCGTATAAACGTTTGCACGTTT
TACTGTGACTTGTGTTGTGATTGTCTTTTCGATAATAATATAAATAAATAAATAAAT
GACTCAACTTTTTCAGTTAGAAAATATTTTCAACTTCGTTTGCAGTATTCGCCACTTTT
TGGTATATTTTCGTCACACTTGGTATTTTACCCTGCCCCAAGTCAGGCCACACTGCCTT
GGTGTATGCAAAAAACGTCATTTTTTTGACAATTCACAGATTTTTTCCCTTTATTCGA
>EP78557 (+) Dm CG8289; range -499 to 100.

GGATCTCCGCTTCGGTGGCGGCCAGTCGCGACTTGTTGATCTCTGGCGCGGACGCTTCT
GGCTGTTGTGCGCGCTTTTCCGGCCACCACAGCTCCTTTGAACGTGCCGGATCCCGGCT
TGAAACGCGAACCCGGTTTGCCTGGTCTGCGCTGCATACCCTCTGTTT
ATTGACCAAAATGCGGTGCTTTCGAAACGTATTGAAATTCGCACGCGTTGGAATTAGGG
ATGAGAGAAGAAACGATTATTCATCGATTAATTCGCATTTCAAGTCGAATGTATCGACC
ACTAATTTGTATTACGTTTCTAGAAATTTGAAAGAATTAATTTTCTTACTTTCTTACT
TCGATTTCGATCTCGGGATCTCGATTGATAAACATTAAATAAATATTCCAGGAAATATAA
ATATATATATATTTATAAACTGCATATCCCGACTTCGTGATTTTTTGTCTTTCGAGTC
TGGTAACACTGCCAAGTGTACAGTCGTCAAAAACTCTATAAAGAATTTGTTTTGCTGGT
ACGCGGCAATTGAAATCGCCACCGTAGAGCAAATTTGGACGTTGTACACAAACCGGATAAA
>EP78558 (+) Dm CG8193; range -499 to 100.

TCGTTGTATCTCTTTTTAGCGCTATGCTAAATAAATATATGTATTGTATATCAAAGCA
GTAGTAGGGAATTAGGGACGAATTGATCGATTATAGCCGAATTGTAATAACTATTATTGC
CGTATTATGCATGTAGCTACATATATACATACTATTATATAAATTGTTTAGATGTGA
TGCTATCTGACCGGAGGATCGTGTGCGTAGAGAAGTTTTGATTTACAACGCAGGCATATC
CCAGAGATAACAAAACTCCGATTTTCAATCAATAGTATATATGTATAGATAAGCTAAAGCA
AAACCAAAATGAAATACTCTTGAATAATAAACTGCATTTTAGAAATATGCTAAACAAAC
ACTGCGGTTTCCATACTATATCCTTATCGCCGCAATTTGTGACAATTTCAATTCTCAGG
CGTTCTTGTGGTTTTTCAAACCGATACTAGTGCTTCGAAAGTTTGTATAAAATGTGCAG
TTCTTTTCGGTGAATAGTCACAGTCGTGAAGTTCCAGACTTCAGTCACATTCCCATTT
AGTTTGCTCCGCGATCCAGCAGGTCCTCCCTGACATCCCATTTGAAATGGCCGACAAGAA
>EP78559 (+) Dm CG11604; range -499 to 100.

TCCTGGTGTCCCGGTCCGAAGAATCCGTAATTATGTCGTTCTTCACATGCTGCCAGGGC
GTCGCAGTAGCTTGTGGAACGAGCGCTGGTTTCGTTGGACATACTTCTTTGGCTTGAAC
TTGGTTTTGCCCGAGTCCTTGGTGCGGCTCTGCAATTGACGTTTCATGGCGATCATTATCT
TCTGTTTTCTTCGATTGGTGAATTCATAGCGTTGTTATTTGTGGTTAAACTGAATATC
GTCCATCTGACCATCTGAGGTGCCAGTTTGAGAACTATCGAATCTAGCTATATATGTTA
AATCTTATAAAAACTTCCATTGGTCACCTTCACATTTTAGTCCATTACATGTATTATGTC
ACATATTGTCACAGTATTATATATATATATTATATATAAAGGTATTCAAACCTAAT
ATACATATAATGAATAGCAGTTTTGGCTTGAAAGAAGCCACTTCGGCAGTCCCACCAACA
ATCGGATCTTATCGATAACCCCAATCGGCTCAACACGTGCGCCGCAACTAGGCGGTTTTA
TAAATATTAACAATTCATATGCAACAACAGTGGAGGACAATCCGGCTGGAACCTTTTCAG
>EP78560 (+) Dm BCDNA LD06837; range -499 to 100.

ATGGATGCAGTAAGGTAGCTGCTTTTTCTACCCAGAATACCGAAACTCATTAAAAACCGCC
AACCCACGGTCACACTTGCTAGCGGTCCAATTTTAACCGGTAAAAACGGAGGAATGGCGT
TGCCATACATAACATGAGAAGCATTGAATCGGTTATTTATTACAGAAACACAAGAAATGT
TTTTGTTTTCAAATGTTTATTATCATAAAAGAGTTCAAGTCTTTTAGGCATTTTCGTAA
TCATTTATTTTGAAATCCATTAATTTTACTTGTTTTATCGTTGGTTTTAGTCGTGGCACG
AAAACAGTGTAATGTAATAATATTACTTTAAATTAATTTTAATTGTGATCTGTTAAAG
TATTTAATTTTTTAAATCATTCAAGCCGAAATAATCATTGAAATATGTGCGTGGCAAA
TTTAATGAAACCTCTAAACATCGATATCACAGCGTAGAAATCGACAATAATCATCAAAAA
CATCGAAGCTTCGAGCATTACTAGAAATAGTCAGCGGAAAAGGCGCGCATTAATTTGTTT
TGTTAAATTACTTTTACGGTCAGAAAGTAACTTAAATACATCCAATTACTATCGTATTT
>EP78561 (+) Dm CG12025; range -499 to 100.

GCATCCGTGGGCGAGATGCAGTGCTCGTCTCCACGGAGTGCCCGTAGATGTCGTCGTAG
CCGTGCTACTCATCATTGTAGTCCATGGTGCGCACTATCCTGTGCCGCGACATTTTGGAG
GACTCTGTATTTCACAATTCAGGAGCAGGGTCAGAATTTTCATCAAAAAATAAAGGTG
CGTGCAGGTGTGGCTGCCTTTTTAGAGGTTTGGTATTTTGCGGCACTTTGACCAGGAGTT

TTTAGTACAATAGTACGGTTAGAAGGTATTGCCACTAGCGGAGAGGCGACTGTTCTGATT
TGCTTCATGTATCAATCAATTGACATAAGAATCTAATAATTTGTTATTTTAAAATCTGC
ACATTTTTCAAATATGTTATAAGGTCGAAAAGAAGGAACAACATTGGTGCAAGTGTGAAAC
CGTTTAAGCATAAATTGATGCGGCCTTGTGTGAACAATGATGTGTGCTTAAATATACCAAG
CAGGCTGGCAGCCACCCACACAGTATTTAACACCCCGAGGAACGGTCACATTGCTG
CGAGTCTGAATATTTTTTGTCTTGTGTCGCTTTTAATGTGAAAAGAAAAACACTTTTT
>EP78562 (+) Dm CG13705; range -499 to 100.

AGCGGCGACTTCCGCTTGCAATTACCAATGGTAATGGATTGTCACAAATGTATCCGATCT
ATTCAAGCATATGGCAGACATAAATCGATGCAAATAATCGAGACAATCGAAGAGCCCTCG
ACCATTGTTCCATCTGCCTACGAATCTACAAATCTAAAATATCTACAAATCTGCGGACTT
CGCCGGCTCGTCTTTGTTTACTTTTCGTTTTGTCTTCTGGCAGCTGGCCGCGCTAATCATC
TTATATGGCCAGCCAGAGTTCAATTGGTGCTTGAGACACTTTTTGACAATAGCAACTAGA
CAATCCAAATCTGAGTTCGGCCCCAGTAGAAGAAGCCATCGATCGATGCGGTAGTTCGCC
GCTTGTTAACCGGTTTGCTCAGCGATCATCATAGTCTATCTCAGTTCATCTGATCTCGCA
AAGTGAATGGACATCGGTCAGCCGAGAAGTTTTCGCGCAGTTTGTGTATAAATAGTGTG
TTGGGTCTGGTTTGAACAGAAATCAACTTTGGATTAATCTAGCAGACATCGTCTTGGAT
CTTCTGGAAAAATGGTTAGTTCTCCAGCAGTCATCTGCGACCGACTAACCATAACC
>EP78563 (+) Dm CG5568; range -499 to 100.

TCATAATCGTAAAAACAAATGCAAAACGCAAAAGCCAAATTCCTGACAGCACATTCCCCC
AATTGTCAACCCCTTAATCCACTTGTTCCTTCCAAAACCCATAATCCTCTCTTTGACGGCTG
CCCATTATCATAATCTTATTGTTGGTGGTGGTGGAGATTCCAGTCCAGCCAGCTGACCA
TTTGCTGAAACACTTTTCGACATCTTTTGTAGTATTTTACTATGGGATGCAATCTCAAAA
TCGGATTATCAGCGGTCTGAAAACAGTCTTGGAATTAATCATTGCTTAAGTAAACATA
AATAGTAAATATGATTAGTATGGCAACAGTGACGGAATAATTGATTGGTAGATGAAATAA
ATTCACCTTATGAACAAAACTTTGTAGTATCTTTTCTTAGCTCAAAGAAATATCGATATAA
TAAGTCAGTTGATAATGGTGAGACCTAACTTGAAGCTTTAAATTCGAGTCTTTCGCTCTA
TCACTTTTCGTTTTTATGGTATTACTATCACAGAAGTTAGAGAGATATATAAATTATAAGC
CTTCATTTTAATTCTTAACGTATTATACAAATGGGTGAATTGCAAGCGGAAAAATCGCC
>EP78564 (+) Dm CG8104; range -499 to 100.

AAAACTCCAATAAAATTGACAATAAGGATTCTGTAAGCGGGGAAGGCTCAAATAGTGGG
GACGATAACACGTCCACAAGTTCAAGTGACTTTGAAACAAGCAGAAAAACAAACTACGC
CGCAAATCCTGTGCAATGTATCATATCATTATCATGCGCTGCCATGCGCGTAGTTGGC
GAAAAATGTTGACGACTGCCACAACTCCAGCTCCACTCGTGATTAACTAAGCTCA
GCTCAAATAATTGAAGATGTTCCGACTCTGAGTTTCATATTTTCGACGATACCAGCAAC
GATGCGCCGGCCAACAATCGATAACGTTACAGCACGTCCATTAGAGAAATATGATTTG
GAATATATAAGAAAACTACGTAAACGCAAAAAAAGCCGAGTAAACTTTATATGTTGAT
TAAATTTCAAATAACAAGTGTGACCAGGGCTGGAAACGGCAAAATGCCCATCTATTGGCC
AACACTGGCAACCCAGCCAGGGTTGGCTTGTGCGTTTTTGGAGTAGTGGTAAATTTTA
CGAGCATAACTATTTACACTGATTTTATGTAAATAAAACAAAACAAACGTAAGCAAAATTA
>EP78565 (+) Dm CG18135; range -499 to 100.

TTTTTATTGATTAGCCCAAAGCAACATTCCTTGCTAATATTCTCCTAGTTATTCTACAG
ACAAAGCACTCTGTTTTCCCTTATCGGTACTTTAAATGGATCAACCAGTGCCGTTTAATT
ATGCCCACTCATAAACAGTTAGCCTAGGAACATTTTGATTACCACCTAGACGTTGATTA
AATTTTCGATATTCCGCTTTGTTCTCTGTCTGATTCTGGACGATCGAGGGCATTGCTA
ATTCGATTAATCTTCATGTTTTCTGTATTATCTGGTGTGTTTCGCTGTTTTCTGTTTTG
TTTCGTCGCTGCCCCTCGGTAGAGGGCAACAACATTTGAAAAAGCCCCAGCCGCAACTG
TACCGCCGACTGAAAACCAAAACAAATCGCCAAGTCGTGCGATACGACTACGACTCTCG
CACAAAGAAAAAGCTCCGCCACTCAGTTTCGATAAAAAAGAAATCGTTTAAATTGCGCGC
ACAACAAAAGCGCCGAAACAGTTGCGATTGCAACGTCGATTTGTGACGACGACCGTCT
ACAGCGTCTTAGTTCCCACTGTCCACAAAGGATACAAACCGAATAACAAAACAGCAGT
>EP78566 (+) Dm CG9307; range -499 to 100.

GGCTCCATTCTATCTTATGCATTAAGTGACATTAAGTTGCTAGCCAAACCACAAGTTA
TCTATCCATTACCATTATAATCGGCCAGGCGAAGCCTGGATGCGCACAGCGTAACCATAT
CCAGGCCACTTACAGGGATCTTCTTTTAGGGCTGTCTGCGCTAAAATATATGGTAATTCT
AGAGCATAAACAACGGCAGGGGTGACAGTAACACAAAATGCGAATGCAAAACAAACGGA
AAGAAAGTGGCAAGACAACCTACCAGCTAACTGATCTGGAATTGAGCACACTCAGTCAG
CAGAAACAAAACAAAGCCCCACTTTGCCCACTCTACCCGCGACCATTTCCCGCAAAGT
TGGGATTCTTCGGAGAATCGACCTCTACGCACTCTACGACGGAACAAAGGCGCAATCC
AAGAACCGGACTGCAAAAAAAGAGTGTTCGAGACCGACTCCCACTATAAAGTTCGA
GCCGATCGAGAGCTTCACTGTCAATTTGACGCCAAACGCGCTGCGACGCAGAAAGTCTCGA
GATTTCCCGGATTTCAATATAGTATATATATAGTTATATATTCAATTCTTCGCCGGAT
>EP78567 (+) Dm CG7379; range -499 to 100.

AATAATAATCAATTAATAAATAAGTGCAATTTGTTTTTCTTAATTAATAAATCAGC
TGATACTGTTATTTGAAATTTCCAGTTTCCGGGCAATGAGTAAGGGGTGGTTTTGA
ACGTTTCTACACTGGCGTTGAATGAATGATACATGATTTTAAATTAACGATAATTGTA

ATAAAATGAATACAAAAAAGGACTGAAAGTAATAATTAATTTGTATTTAAAGGGAAAA
TATTTTTAATACTTTCTATTGCTAGGGAAATGATGAGAAGATATTTGACCACAACTAT
TAAACCAATATTACTTATTTATTAATAAATTCAACCGAAACAGCAGTGCCGTAAACCAC
CCCGATTTCAAGTGTAGCAAAACACCAGCCGACTAGTGTTGCAAAGCACAAACCACCCATTG
TATACATACATATAATAATACCTACGCACACATACACGCACACAGGTACAGTCGCAA
GTTGCGACTCGCAACGCCATACAAAAAGTTGGAAGTGAAGTGAATCGGAGTACTATATAG
CCAGCCGATCCCTTCCAGAGCGCCGGAAGAGTAGCTCACATCCGAACCCACGTCCCCGAG
>EP78568 (+) Dm EG 30B8; range -499 to 100.

TGTTGCACTTTGTCCACCTTAATCTTGGTGGCCCGCTTCTCGGAGGGCAGAACCAGAGCG
TTGGCCTCATCGTAGCCAACCTGGTTGCCGCCGCCACAGCATCCACATCGATCTGAATC
TGTAAGATATTGGATTTGGAAAGGGTAAGAAAGCGGATTGAGTGTGTGGTCCGACGGAT
GACCTACCTTCTTACGGCCGAGTTGTCCACAATTGTTTGTGGATTCTGCCGCGCCTTGG
CATTGTGCACCTTCTTGCCCATGATTACTTTACTTTACCAATATAGTTAATAAAATAAAG
TAACAGAATTAACCTTTGGGCAATAATATAAACATTGATTTAAATCACACGTGCGAAGTAC
GCTTATCGATAACAGCGCAGGCGATAACAAAAGTTGAGATACTCTAAAATGTGCTGTGAT
GTTACATTTGTGTTAGTGGAACATACATTAGTGGAAGAACTGATTGTTATAGTTGTTT
ACACTCCTTCGACAGCACTGGTATCGAAACGTTATCGCAATCGATTATCGTAATATTTT
CAATATAAGTTTTTTGTGACAAATAGGCGTGCAACATTTTAGATCCATCTGCTCCCCGCT
>EP78569 (+) Dm CG32649; range -499 to 100.

AGTATTTAAATTTTTAGTTGTTAGTTGTTGAATGTTTCTTTCTAATTTTGCATAAAAGC
TGAAGCAAGCTAAAAGAGCCAAAGAAACAGCACTGGCTTCAGTGCAAAATCTAGTGCTGC
AGCAAGCTGGCTTTTAAAAGCTAGAAAAAGCTCAAGATGCCATGGTGCCACTGTTAAAC
GCCAGCATGGCAGCACTAGATGGCCAGTCAGCTGTTTTGCCAGCTGATTTTCCGCGCATT
TTCACAACATTACGCGATTCTTTGAACTTTTTTGCTGTGATATTTTACGAGATTTACG
TAATCCTACGCGCCGATCATCACCAGCGAATCACCCACGCGAGAGCAGTGACAATAAAC
CAGTATTTCCCTCGCTCCGCGATGTGCGGATCCGCACAAGAGCTGCGGCGCTGCTGCGGG
GACTGCGGATCTTGTTGGAGGCGTGTGGGCGCGAGCATCTCGCCCACGGTCGTCTCTGT
GGAGCAATTCAGCATTCTGTGAGCTAATCGCCGAGAATGTGGCGCACACAGCAGCTGG
TGAGAAGTTCAGTCAAAATCCCACCGAGGAGCTGAAAAAACTGCAGCAAACTGTAAAG
>EP78570 (+) Dm CG9917; range -499 to 100.

GCTATCGCGATATGTCACATACGTATGTATATATATGACCGATGTGACCACCATGGGCAC
CAGAATGGAGCCAATGGTCCAGGCGCAGTATCCGTAGGACTCCTCCATCCAGTACACGTA
CGCCAGGCTCCAGTTGATGCAAACTGAGACGAAGCGCCACAGAATGGACACCACAGTGA
CAGCATGCTTAGTTTGTGAGATCGGCCCCATCATAAGGGCGTCCACTTCGGTTCTTTGCTC
CGCGGAGGCCATGTCTCTCCGCTCCTTATTGCACATGTGCCACCCTAGCCACACACAA
ATATCCAAGGCCTCGACCTCCAACTACTCTCGCCTTCACTTGCTGACACTGGTTTTCG
ACTAAAAAACAACAACTGAAGATTAGAATAAAGACTGAATTTCTACGAGAACTTG
TTCATTTGAAGTAGAGATAGATCGATCGTACGCTTTTATCGGCGGAAAGCCGATAGTGAG
CTGTTGCATCGAAAGCGTCATCGACGAAGTGCCATCTCTAGCCGACGGGTGGGATAGAAT
CTCCAATTGGGATTTCCATCCAGTGATTTCTAATTAATTAATTTTTTCCAATTGCCCA
>EP78571 (+) Dm CG14211; range -499 to 100.

GTCCGTGCCAGTTGTCCAGGTGTCCCTCCACCTTGCCCATGACTAGAGAATGTAGAGCAC
ACTTGATAGGGGAACCTCGTGACACAGTGAATGCAGTACTTACTGTAGCCCATTATTTG
TCCGCTGGGCGACTCCGCAAGCTGAAAGTACTCCGGCCACTTGCCAGGTACTGGGTGTA
GAAGGACAGCCCGTAGGTCTCCGTAAGTGGGTCAAAGTTTCTGGCGGAGCACACGGCGGT
ATTGGTATTAGCTCGGATATGCGCATGTGGATATCCACTGTACTCACACATTGTTGAAC
TTAAAGAGGTGTCGCGAGGTGAAGGGTGCACAGTGGTCATCTTATCACTTAATCTCGGC
TAATCCGATCCTTTTTATTGCTCCTATAAAATTGCTATACTCGCCGCAATAGAGATGCG
CCGCGGTGATGGCAAGTTATCGATAGCCTGGAAGCGAGCTTTCCACAAATCGGTTACC
GCGCAATGCAGCCGCGGTACACTACTAGCACTTCATTTCCACGCTAGGTCTGTCTCTC
GCTCTTCTTCTCTCTGCTCCAGCTGGTATCTGTTGCCTGGCCATGGAACAGTCTCAG
>EP78572 (+) Dm BCDNA LP05220; range -499 to 100.

GTTGGCGCAAGTTGAATGACCACCGCGTCAAAGTAGGCGAAATAGAGCGTTACACAGGA
CTGCGATTTAAAGATCATGCAACCCGTAGTCCAATTCGGGAAGGACTCATTTACGGTG
GACACCAGGGCTTGGGCCGCGAGTTGGAGGAAATTTCTGAGCCTTTGGTAACATTTCTC
CCGACCAGAAATTAATTTAATATAAACCCCTGAATGTAAGGAATATTTTGATAAAATT
GTGAAATATACATATTTATTTAAATGTACTTTGATTATATCTTATCACTTATTTATT
TTAACCAACGTATTTAATGACGTCACTGCATTCTATTGCACCACCTTACACATAACATA
ACTCGCAGCTGTTTCGTAACAGCAGCGCTGTTAAGTTCAACACGATTATCGATTCGGCGA
TGGCAGCCGAAAGAGCACAAATCGATTGACATTCGATTTTCCACTGCCGATTACCGATAGC
TTACGTGGCAAGGCAAAAAGAGCAAAAAGATCGAATTAGGGAAGTACGTGGAAGTTTCG
TTAGCTCGAAATATTCTTGTTTTCAACCAGCGATCGTCCGCCGCGCCGTCGAGAGT
>EP78573 (+) Dm CG7781; range -499 to 100.

CGATTTAATATAAATCAAGTTGAGAACGTTTTTATTACCTTAAGATGTTTAATGATATA
TGAAGGACATATGTTTTAATCTAATAAATCGAAATGAATGTTTTATTTTACATTAA

GTACGAAATATAATAAAAAATCGTTTGAAACCCCATCCCTGCAGACCAGTGTCAATTTGAGA
TACTTTTGTGGCCACACATTGCGATCTCCTGACCCACACACACACACACACACATG
CAGAGCGTGGAATCGCAAAGAGGACGCACACTCGAAAGCTTCGCTGCCAAAGCTCCCTT
GCTGCAAGCTAAAACTGAATCCGAGTTTTAGGCTGGGATTGGGTCTTTCTCCAGCAAC
CACTAACCACCGACCACCGACCACCACCCACCCATCGCCAGCCGATGCGATCCGATT
CGACTCATCCGCCCCGTGGGTGGCTGTCCGCAATTCGTGTTCTGTGGTACATTTGTCGAG
TGCGGCTGCTGCTTCGCCAGTCGTTTGCCGTTTGTCAACCGTTAGCCAGCGTTTGCCGT
GAGCGCTAGTTTCTTGCAAGGAATTTATATATATAAAGATAACTACTATATATAAATA
>EP78574 (+) Dm CG3672; range -499 to 100.

AATATGCTTACTGAACCAATGAATTCGGATTGGTCAAAAAAGTATCTTTAAGATACTCGA
AACTGACAGCCAACGAGCGCTGAAAATGCCACTTGAATCGTTTCGAAAAGGGTTCTGTGG
CAGTCAACAATAGATGGGTAGACCACAAAGCTATTAGATAACTAATTGACCAAACGGCAT
ACATACAATTAATAATGTTTCCATAGGTGTCTCCGCATCACTCCGAAAATATTCATATAT
CCGTAGTCGAGTGTGAGAAGTGCGAATTTGAGCGACGCCGATAATGAACCTCAAATTGCC
GCCACTGGCTTTGCGAATCGAGATTCTAAAGCTGAGTAAGAAACCGGACAGGTGAAGCTC
AGACTGCTGCTGGTCAGTGAACAGTCGCCAGCCAGCACATCTTCATTCAGATTTATGC
AAAACGCAAAAACAAAACAAACAATACCAAGTAGATCTAAAAAGTTAGTATATAAGCAGT
GCCTTTTGGTTACTCAGTTATTAGTAGCCCGCCAACCTGGAGAATAGCGAATACACGTTGT
GATACCTGGATAAAACACACATATAACTCATATTTCAAATCGAATCCACTATGAAGTGCT
>EP78575 (+) Dm CG7739; range -499 to 100.

TTGCTTACACATATTATACATATTTAGCCATATTTTCAAAGGGATATTTTTATTTAGTT
TTGTTCACTGATGAGTGACCTTCACTTGACAGTTGAAATATACCATAAGGTTCCGAAATA
TACCGAAGCGTAATTAATGAATACCGAAATCACGTTGGAAACTTAAATTTAAATATTTTA
ATTAATACTTTACAAATGTTAGAACCATAAAAAATATATAATTAAGAAATTAATTC
GATTAGAAAATGTTGGAAAGTATTATTGCTATTAGGAATATTTTATTACATATCTATTAA
AACTTATATGAATGATATGAAACAATTAATTTTATCAAATAATGGAATGTCATATTTA
TATATATTTTAAAGCAAAATTTTCTCAAATAAACGGACTGCTTGAACCGCAGTGGAAC
ACATTTAAACTTATCGATTACTATGCGACGCGACTGTGGATACGCAGTCAACAAAATAT
CGCTCAGCCCATCTGATTCATATTGATTTTCTTCAATAACAAAGCAGAGGAAAGTAGAC
AAAAAATAACGCAATTTGGGAAATACAAAACCTGGAAATCTGAAATTCGGAATGACGAG
>EP78576 (+) Dm CYP12C1; range -499 to 100.

GGCTTATTGTTTTTGAATGCACATAAAATGCGTTTGTCTTTGTCTCTCTGTTCCAATG
CAAGCGTTTTAGAATCATATTTTATTGATAGCCAGCAGGGTGGCTGATACCAGTGGAATC
GAATTTTGCAGCCTTCACTGGGAAACACCAATTATTAGGGCACTCGTAGTTTATCAATGA
TAAAGGCACAACAGAACAACATATATTATTTAAGTAAATGTCTATTTTCGATTATC
GCACCTGTCCTAATCTGTACGCAACTTCAAGTGGGAGATACGTTATCGTTAAGCTTATAT
AAAAGTAATACTCATTTGTTTTAAATGATGTTTACAAAAATATTTGTTTATAAACATAT
ATGAACTCTGCGATCTTAAGAGCAAAGCTCTCTGAAAAAGCACAAAGATAATGGAAAGCA
CTCTCCCCTGTTGCCGATATTTGTGTAATTAATCAAAGCTACATATATAGTAGTAGTAT
TGTTCTTTAACATTGACAATTCATTCAACGGGGAGATCTTGACCATGTTGCGTCTCACAG
TAAAGCACGGCTCGGGGCCAATTCAGCTGGCTGCCACCAGAAACCCAGATGCATCAT
>EP78577 (+) Dm CG4825; range -499 to 100.

TATAAAGCGATTTAAAAGCAATTTATTCGAAACCAATGCAAAGTCGTGGATTGCGTTTT
AGTCAACAAGTGCAATCAGCTGTTACAGGCTACAGTCATAGCATTAGGGGTGTTCCAGGA
TTCCACTATGTTGAAATATCCAATCTGAATAATGTTATGCGTGACCTCATTATTATTTGA
CTGTTTGTAACAAAAATCATTTTATCCTCGGGAATGCCATAAATGCTGCCTAGAAAGT
TATTATATAGAAAAATAAGGTAAAGAACTAAGTTATATAACTAACGCTATATAACTCTA
AAATAGTGACAAATATACTTGTGTATAAAGTAGGGTGATGACTGCTTTTCGAATACGATC
TGAAAATATACAAAATATTGTATCATAAGATAACCTGGATCACCCCAACGTTCCGCTA
TTCATCTGGCAACGCCCTGTTATCAAGTCACACATTTCAACCTCCGGAACACCAACCG
CCGGCAAGTGTCGATTTTTATTGGTCCAAGCCGCGCGCAGCATGTTAATTGACAACAACG
GACGGTAGCTGGCAATGATAAAATAAACGTGCGCCGATCGAACGCGAGTCGAGGATCCA
>EP78578 (+) Dm CG7156; range -499 to 100.

CATCACGCGTTCCGTGCGCATGCGCAAGCGATGGTGGTAAAATCGGAAAAATTTCTTTTT
AAAATGGTATTTCTATCTGGATATTACTTGTGAAAATCCGTTTGTGTGAAGCTTTTATTC
GGAAGTTTTAAATGTTATAGTAAATTGACACATTTAAAAAGCTATAGCTATAAATATG
TTGTATTAATGAACACATGAAGCAATGTCGTTAGCAGGGACTTCCACCTTTTCTGTGCA
ATTCAATTTGTCATTAGTCATTGACATAACCCACATGCACTGCAGACTATCGATACTTATG
ATACTTTGATTAGAGTATAAATTTTAAATTTTAAATGTGACCGTTTTTTATTTTAAAT
AAAAGTGTTTAAAAACAGTTAATATTTTATGGTTAATTTAATCCTTCTAAGTTAAAA
AAATAAGCTACTAAATGCTCTTATTTAATTTTGAAGTCCGGAAGTGTTATTTTGGCGTC
CTTTGGTCACACTAGCTTTAATGTTGCAAAAAAGTTGGGGAACAACGACATTTGATATGG
GAAATATGTTTAGAACTAAACCACCAGGTCTTGACGAGAAACAGAATGACTCTCAAC
>EP78579 (+) Dm BEST LD21713; range -499 to 100.

GTAAACCATACTTTATAAATAGTTTACCAAAAATGATAGCACAAGTGCCAGAAAGCTATT

CAC TTCATTTTAAATTTGATTAGGTAAATTTGTGCGAAGGAAGTATTTAAAAAATGTGAA
ATGACGTACTAAGCACCCACATATAGACTAAGAATTAAGGTTAAGGACATTGACTTTC
GCAATCTTTGTATTGTAGTTAAGCCACAAGCATTGATAAGCAAAGAAATTGTAAGAGTGA
AATAAAATCATAATAAGATGAATTAATTAAGTAGAGAACTGATAAAGACTTGCACTTG
AAGCTGACACATGTGTTTAATAACTATATAATTGCTAAGGGAAATTTGTTTTGAAAAG
TTTCCGTTATCAAGCTCGAAATTTCTAGCAATGGGCGAGCACGAAATTTGCCGCTGTAAA
TCTAGCTTTCAAACCTGGCAGCACTGTCGGTGGTCACATTGTAGCCTCTTCGCATTTGA
CGACCCATGGAAAATTTTCAGTCTCTTGACAGGACGACAGCGATACGGAAGCAACAATTG
AAACGTCCAGAACTCCTCCTCCACGAGTATTTAAATTCTGACACAAGAGTGCCTGAACC
>EP78580 (+) Dm MOF; range -499 to 100.

ATATAGATATATATACATAACTCATATAAGTACGGGAACCCACGATGATCTGACCTATAC
TCGGCGGGTTTACGTAAATGGTCTCCGCATAATCCAACTCTGTGTACGGCTTATTGCATA
TAGGAACCTCCATCGTAACAGAGAGCTCGACTCTTCATTTGTTATCTATGCATTTAAGA
TTTTTAAAGAAATCCAAATTCATGCCGTGCTTTAGCTGTCTGTATTTAGCAATGTACAC
AAATCAACTACCAATAATTGTTTGCAGCTTAATTCTGTAGGATAGATGTTCAATAAAAAA
TTCGAAATCAGTTCCAATTTTTTAAAGTGTCTCTGAAGGTTTTGGATAAATAAAATA
TATTATAACTGAATGCACAGAAAAATCCAGAAGGGTAATTTCAAAAAGGGTGCAAAGT
ATTGTACATCGATAACCAACCGATTAAATAATCGATTATCTGGACATGTTGTGATAAATCAG
GGTTGCATTTACGCGCTATTTCGTTTCATTTCCCTAAAGAGTGAACAAAAATACGCAAT
TGGACAAATCTAGTGGCTAAGAATGTCTGAAGCGAGCTGGAACAGACACCCAGCGCGGG
>EP78581 (+) Dm CG7861; range -499 to 100.

CATGTTAATATTAAAGGCCCAAGATACAAAAATTCGCAATTCCTCAATCAATCGCTGC
GAACTCACTTGCGCGCAAAGCTGTTCAATAATGTTTTATTCATAAAGTCTTGCTGAAATT
CTCTGTAGCAAATATCATTTAGCTAGATTTCAATCTTTGTATTTTTCAAAAAAGTCATT
TAGAATGTGACACAAAACAGTTTCGGTTCATGAAATAGGACTTATCAGCGACTTTGACAT
ATTTAATTGTTATTAATGGCTAATATTACATACCTTTAAACAAGACGTAGATCGAACTTG
ATATAATCGTCTGATTGACTGAGATGGCATTGGAAAAGTAAAAAAAACAGGAAGCAATT
TAAGGTATCATTTTTTAAAAAAAAGTTGTTACCTACGTTGGACGTAACGAATCCTTAC
GTTTTGCTCATTTAACGCCCTCGAAGTGTGACCAAGTCCGCGTAATGAATAGGTATTTCA
TTGATATCTGCTTACAGCCACATTTGACTAAACACTAAATATAAATAATAGTTTGTGACT
CAGAATTTAGGCTTCAGGAGCTACGCAAAGCTTTATTTCTCTTCATCAAAGCTGTAATG
>EP78582 (+) Dm RS1; range -499 to 100.

GGGCTCATCGCTGACCATGTCTGCTATCCGATTTTTGGCTGGCTGCTCCTTGTTCTTCGC
ATAGAAGCGGGATGCAAGTGGAGTGGCGCCTGTCTGCTGGCATCAGTTGGCTACGAAGAGA
GCCTATTGTTACTACTGCTGACTAGGTATTGTATCATTATAATAACTCACCGCAGCACCC
TTGTTTTTGTAAAGCAAACGCAGCATTTTCGATGGGAACTCAAGCAAATTTTATAACAAA
ATTGGTTAAACAGCTGACGATTTAGAGATGAGAGCTATCGCCGGCAGCAATTTCTGTGAT
GTATTGATGGCTTGAAAAACAAAGTAAATATCAATTATGATGAAAATAATATGTTGATT
TTACTTAGTAACTTATGTTTATGGTTATTTGAAATTACTTAACATTTAAAGAGCAACAA
ACTAATATTTCCACAAATTCACCCACGCTTGCAAACGATGATTTGACCACGGTTTCGCC
CATCTCTAACACGCCACACGTGTGTTTTAAATTGTAAACACGCGCTGGTGGAGTTTTGAA
TAGTTCTTTGCTTCAAAAATGGGTGCAACCAAGAACCTGGACTTGATAGGCACCATCGAA
>EP78583 (+) Dm CG5597; range -499 to 100.

GCCCTTAACCTTCGGTCGAGAAGAAAGAAAGTCTTAAGGACTACGCTCGACACCCCTG
TCCTTTAACGGTCTTGATGTTACCTCGACTATCCCTAGTTGTAGGAGTGCGCCTCAGC
TGGGCGGCCAACTGGTTTTCAAATAGTCAACGGCAGCTAGGAGCAGCGAGAGTATCGAA
GCGGAAAGGTTGTGTTCAACCCACACATGCAGGGCGACTTGGTTGGTGGTGGTGCCTG
GCCAGCTGCGGAGCGATCTCCACATGTCCATGCAAAGATCGTGCTTGTGCTCCGAGAG
TCGCGCACAAGTCAAGTGGCAGGGCTATGCGAGGAGGAGGGTTAGGGTAGGAGGAT
CGTGTGCCGGAGAGGAAGTCCCGGCAATTATCTCGGCTAAATTGCAATTCGTTTGGTTACG
CTGCGTGGTCTTGGCCAAGAGCTCTCGTTCCTCATTTCTCGGTTTTTCAGTTTTCGGTTCT
CTGGCGGCCAAGAGCATTTAGTTGCCTTAGTTGTACCATGCCGAGCGGACCGCTGAGTTA
GGATCGGTTGAGAAGTCTGGCATACGAGTGGAAAGTGGAAAGTGTAGATAGGATAGTGACCG
>EP78584 (+) Dm EAAT2; range -499 to 100.

TAATCATTCACCTACTTTTAAAGCAAATGTATCATATCCGGCTTTCTTTAAGGTGCTTGT
TATTTGACTTAATTTAATGGGTATCTTTAGTCGTCTATTTGTTAGTTTTGGCATTCTG
TGCTGTTTTAAGGTAATTTTCTAAAGATTTAAAGTGTGTCAAAGTGCATTAACAATTG
TCGTTTATTTTTCGGGTGTTGGGAACGTTTGTGTTTTGTTGAGGGGGGGGGGGAGGTGGT
GCGGTGATATAAACATAGTGTATAGGCATATGCACAGACAGAACAGAGACAGATGAGGTC
TCTTTGACGCGTTTTGCTGGCGTCAACAGCGGCTTTCTCGCTCTCTCGCTGTGCGATTAG
GTGACCAGAGAATTAGAGAAATAACGTAGAGAACCCTTGAGCAAAGTAAAAACAAATG
TGGCGAAAACAAAGCCAAAGAAATGTGCCTGGCGGTGGGCTCTTCTGGTTCGCAACTGCTT
AAATTAATAACATTGCTCACTTTCTGTTCAATTGGCGAGCCAGCGGACATCGGAGGAGC
CGCTTCAGATCGGTTCAAGTTCAGAGTGGATTCCGTTCAAGATTCCGTTCCGTTAGAGCG
>EP78585 (+) Dm CG13097; range -499 to 100.

CTCCATTGAGACTTGTTCATCTATTTGATGTCTACTTTGTTTACTTACTGCGCTTGTGTG
AATTTAAAGGTGTCGCGAAGTCCACTCGGTTGCCAATCATCGGAGCCAGCGGCGTGCGAC
AGAAGTAGAAGCGCACGGCGCCGCCAGCAGGAGCAGTTTAAAGAAGTTCGAATCCATCT
TCTAGTTGGGCATAGTTTTTTGTGAACGGACTCCGCTGTAAAAAGCCGCTACAGCTGGC
TTGGTGGTGGCAAAGGCCCTTCGATAAATTATCGATTTCTTGTACGATATACGGCTTCT
GGTCTACTGTGAAGCAATTATGATTTTTTTTAGAGCTTTGTTTCTTCAAGTTAAATAT
ATTTATTATTTTTGGAATAACAAATTTTGCTCAAAACAGGATTCCAACGCGATAAAGT
TTTTAAGCTTGAAAAACTTGTACTTGTATCACGCGCTCATCTCTATGTATCTGTTCCAT
CTCTACCAACTGGTTGTTGTTTTTGGACCCGCTCTTGCCTCGAATTGTTGGAATATAT
ATTTCAATTAATTAAGCACAGAAAGCAGTAGTAAAAATGATTGGAAGTAAAAATCCAAG
>EP78586 (+) Dm CG10333; range -499 to 100.

CTCAATTTTGGGTGGATGCCTAAACCTACAACCTTTCCGTATACAAATTTTAAATATTC
TGTTTTGCAATGTATTTTAAATGTAATCCGAATTGGTAAATAATTATTTCAAATCCCA
AGTCGATAAACTAAAAGCAACATAATAAAGATGTCCTGAAAATTGACGATAATGTTTAAAC
GCAGTGGAATTCAACTATTATTTAACTATTGCTTAAAAAACTTTTCAAGAACTGAAGTCT
ATAACTTAGTCAATTTACTTTTGTAGTTTATTTAGATATATGAAAACCTTACGGGAAAAAC
AGTTTAAAGCAGTTTTTATTATTAATATTATTTTAAATATTATTTTATTAATAAATAAC
AAAATATGTTTAAATAATTTGTATAACTGTTATATACGAATGTGTATTATGAATTTAT
GTTTATTTGTATGGCTGTCTACTGTTATTTTAAAAACCAACCGTTATCGATAAGTGTGTT
GTTCTGATAGTGGTTTCCAGTGGTATTTATGGTACGGTCTATTATCAGCTGTTTATTT
CCACAAGCCGAAAAATTTTACAAGTTTTTAAATTAATTTGTAAGGAAAGTATGGTTAACGA
>EP78587 (+) Dm SK2; range -499 to 100.

ACAGTGGACAAATCCATATATGTCCATCGCTACGCACCAGGTCCGTTGGCATTGTTGCCA
ACATTCGCCGCTCGGGCTGCAGGACCACTGCGCCATTCTCGTCTGCGGTGCATTCTGC
GGGAGCACCTTGTACTCGCTCATCTGCATCATTGTTATTTCCAGCAATTAAATTCGTATC
GGATTCTTTAACAGTTCACAAAACACTAAATGCAGGGTGACCGCGTTGCGAACGCCGAAA
AATGCAACGCAATGCACCGTACGAAATATTCTGTCATATATTTTGGTATTTATTGCAAC
ACAGAAAAATATCAACAAAAAGCTTTTCAAGCACTCAATGCAGTGACAAGTTAAATTTGTTA
TGAGCTGACGTTTTTGTGGATTCAATTTGTATTATTGCATTGTATTGCAATAGTTTCTTA
AGCTAGCCTCTTTAAGTTCTAAGAATTTTGAAGTTTATTTGTGCCAGTTGGTATATTCGCG
CCTGCCACCGACGGTAACACTGCGGCTATGATTGGATGATAAGCGATCCATAAAAGCCTG
GACACAAAAGACCTGAAACATGCTGCTTGGCAGCCGAATCTCCAGTCGAAATGAGCGAAT
>EP78588 (+) Dm CG8004; range -499 to 100.

ATAAATATTTTTTTTATGTAAAATGCATTGGAAGGCACCGCACTCACACACACACAGT
TGCAAGTTGGCAACGACGCGCACTCACCTTTAATATGCGAAATTAATCAAAATAGTACGA
TCTCTGAAAATTAATCACTGAAAAGTAAGTGTATGTTATTTTTTAACTTTTGTATAA
CTAACTTTTAAACAAAGCAATAATATAAAATAAGAATTACAAGTGTGAACGTATGCTTT
GGTGGACAGAATACCAAAACGCGAGATGGACTTGAAGAAGTCATCCGTTCACTGCTGT
CCAAAAATACCTGCTTTTCGAAAAAGTTTTAGTTTTGAAACAGCTTCCCCTAAATCTAT
TTTATACTTTGTAAGTATGGGTTTAAAAAGAAATTATTAATTAGTTTAAACGAATCTTGCT
GAAATGCAATTTCTAATAAGAATCGCTGTTTGGTCATTGTCTGCAACAGTCTGGCAACGC
CGACAAACAGCTGCTTGTACTTCATCGGCGATTTCCGTTGTCAAGTTGAAAAACACAAT
TACTCCGTTAATTTACAATGACATCCAGTACCTGAGCCAGCTAATAACGGCCGACAAA
>EP78589 (+) Dm CG3223; range -499 to 100.

TGGCAGCTGAAGACCGGCTCATCGCTTCTGTCGATGTTACTCTTTTTTGGAACTCTGTG
TTCGAAATTCGGTTGGGCTCCTCGCTGCCTTTTTTGGATGGTGACCTTTATCTGGTGTC
GAAGATGGAAGAGTTACCTCCTACGTTCAACCTCAGTCTGCGTTTCTTGGGAGGTCATT
TTACAACCTCGTATATTTAATATTTTGGAGCGGAACTGTCAAAAATCGATAGGTCGATA
GGGATTGAGGTTTTTATTTTGGGTGACCTTGAATTTCAATGGCTTTAAAAACAGTACATT
TTAAATGAAATGACTTGAACAAAGGTAAAAACAAAACAATAGCAAAAGTTACGTTTTCTTA
TTGTCAACAAATGAACACTTATGTTGAAAATTCGACAGCAATCCTAGAGCGGTATTTTTA
GATCTAGCTTTTTTAGCTTTTTTAAATCGTCGGTCGACCCGATCAGTCTGGTTCGGGCT
ATCGGGGCATGTAAGGGTCACCTGTGTTCAAGGCGGTTGTTGGAACAGTTCCGAACT
GTCTTTGAACAAAAACAAATCACCCAGACAAAATAGTGAATTACAAATATTACGCAGATT
>EP78590 (+) Dm CG5961; range -499 to 100.

AGCACCGCCAGCGCAAATGCCACTTCTTCTCGACAACTTGGTGGCACTGGTGATCTGT
CCCAGGGTCTCGTGGTGGCCGAAAAGAGGAGTCCGCCACCGCTGCACCACCTTGCCA
AAGCACTGCTCCAGGATGGCGGAGCTCAGATGGGAGTAGTCGGCTGACATGGTTCCTAAA
ATTCCATTTTAAATAAACCACTTTAATTTTTAATATCACTTTTTTACCTGCTGATAGTGC
ATCAGCAATGAGCAACCAAAAACAAAACAGAACCGCGTTGAAGTCAGCTGTTTTTAAATA
TTTATCGAATATGCATATGATATGATATCGATTTTCAAATTGATCTTTAGTAATTGTAAA
TATCTTTATAGAATACTAATTAGAAGCACATTTTGGGAGAAATTCGCTTAAATATAACCT
TTTTGAAATTGACGAAATCAGTAAGTCAATGTTTAAAGAAGAGCGTTTATAAGAATTACT
TCTTAAGCAATGCGTGCACACTGTAAACAATAACATTAGTGTAGAAGTGTCTCGTTTG
CGTATTTGAATACTCTTAATCTTGGGGTCTTACCAATGGCCACATGTTGCTCCAGTTGC

>EP78591 (+) Dm CG18410; range -499 to 100.

GGTCGACGATATACTTCAAATACGGCGCAGTTGCAACTAGCCCATCGTTCACCGCTAAGC
CCAAAGCTTTTTGAGTTCCATGTTAATAAACAACACAAACAAATTATAACAATTTTCGTA
TTGATTGGGGAAAAATATATCATAATAAATATGATTGCAATATAACGACAGCAATGTCAT
ATTACATGCTTTAATATGCAGAGCGGCGTTAATTAGGTAATTAATACTTAAGATCGTTT
ATTTCTCTCAATGTTATCAGTTTCTCGTGGCGCTGACGTCATGGCTAAGTATCGATTAT
TTTCTCGTGGGTTTTGTTTTGCTCCGGTGCTACGACAACAAACCGTTTTCAAACATAGA
GTCACCCAGTTATTTTGTGGTGCTTATCTAATTGGCCACGCTCAGCTCTGATCAGTGCCT
CTCAGTGGTGCTCATTTTGCCTCTTCTCCCATGATTAAAGTCCATATGCCGTCGAGTTG
GAGACGGCTACGCAAAATCAGTCGTATTCTAGCGCTGACAGGAAGCAGACAGATACTCAC
CCAAGTATTAGCAACCAAGGAGCAGCAATGGCAGAGGGAGATTGCAAAATTTGGCTTCAA

>EP78592 (+) Dm CG14542; range -499 to 100.

TTTTCACTGCAGTTTTCCCTGGTATTAGATAAAATCTATAAACTAGAACATTTTTATTTA
GTTTTAAGTAATAGGAGATTAATTAAGATTTAAACCTATGAAAAGTTTTATTGCAACTG
AACGGCTACGTCAAAGACCTTTTAGAGATCAACAAATTTATTTCGATTTACATTTTCGGAT
TTTCATCTTAGGTATGATTAGGCGTTGAAGCCCTGAATACTTTTTATTGCAACTGAACTT
TTAAATATAAACGACTACGTCAAAGATCTACGTTAAAAATCAAGAAGACATATGCTCTATA
TGTATACTATTCTATTACAATGTGTGTGTATTGTAATAAATTAAATTTATTTTCCA
CCTGTTGCTAATTCACTAAGTTGAAGTGTGAACAGTTCTTTCAGAGTGACCCGGCAAAGC
TTCTTCTTCCCACTAGCACTATTCGCATGTAAGCGCCAACACGCTTTGGCCACCTTAGAA
TCGCGCACACCCCTTCGCTTATTGTTTTGGTTGATGAGTAATCTTTAGGAACTCCGTCAT
TCTTCGTAATTAATCTTGCAGTTAAGATATCCTTAAACATGGACTGGCTATTCGGCAAG

>EP78593 (+) Dm CG3564; range -499 to 100.

CAGTTTTCCCTTTTCGGTTTTTGCAAATGCGTCCAATGTGAAACCTTTGTTCTCTGATGTTG
AATCCTCAAGACGATCTGGTGGTCAGCTGCTCGTCTGCCACGCAGCTTGCAAGTTTTGC
AAGGGATACTATTATTTATGCCGAAATCTGGCCAATTTTTGCATTTTTTTTTTAGCTT
TCTGTTTCCTAATGGTGGGCAACTGTCGATAGTCGCCGATTAACACATAGCACAAAAATA
CTAGAACACTTTAACTAAGTGTGATGGAATGCACCAAGAGTTTTTCATATAGGTACGCAC
ATAAATAAAGTAATGTATTAGTTACGATATCCAATACTTTAACCAGAAACATTTTCGCGGCA
TTCATGTTGCTTTTGAATTTTATGAGTTGTGAGTTTTTTGTAGTGATCCGTTAAAAATT
CGGTATCGCGTGTGCGGTGCACCTATCGATGCCGAATCTATCGGAACTGCTGTTCTTCG
ATATGCCCTATTTGTCTACATCTATCGGAGTATATCGAATCGACTACAACTACGTGGCTG
CAGTGCCTTTAATAGCGATTAAACCAAGGCCAAAAGTACTAAGACAAACGATGGAATCGA

>EP78594 (+) Dm CG9411; range -499 to 100.

AAAATCACCACCTCAAGTCGGTGTTCAGGCAAGGCTCTGAACTTTGACAAGGATCCTCAA
CTTCGACTTGCAAAAAATGACACTTTGGCATCGCGGCACTGCGATGACGACGATTTTCGATG
ATGATGGTGATGATGGGGCGGCGGTCTTGCCCATGTAGCAAGTTGCTCCAGCGCTTC
GATGCCAAGGTATCGATGTGAAAATGTTGCAAACTGGTCGCGAGAGAGGGAAAAAGCTC
TCAGCTTCAGTTCCAGCTTCTTCTGTCCCTTAAGACTCGGCACCTTGCTCTGGGTTTATG
AAATTTCTTCACTTTTCGGTTTCGATTGCAACTGGGGACTCGGATATTCCGATTCCGATT
CGGATTTGGATTTCGACTCGGAATGGGAATCGGTTTCGGTTTCGGTTTCGGTTTCCTACAG
CGCTGCGCGGCGGCGAGCGAGCTCGACGTTTGCCCGGGCTATTACCTATATGAGCTGGCG
TTATCATCTGAGCGGCAGCATTTTCAACTCGCGACTGACAAGCAGCGGTGCGCGTCGCCG
ATCCGTTGTGAGAGATCAGATCCGAGATCTGAGTTTAAAGGAGATCCCCAAGCGATCCG

>EP78595 (+) Dm AATS-ARG; range -499 to 100.

TGTGTGTAGCACACATCAAAGAGTTTAGGTTGCGGCCCCACTAGACTATAGGTATTTACA
CAAAGGTGACAAAATCTATAAATTAATTAACACACATACATAAAAAAGTTTTAAGAGA
CACCTTAAGCGAAAGAACAATCACAATTAATCATAATAGAGGTGGTCGATAAGTCGATCT
ATCGATAAAAAATCATAAGTGCTATGTGAACCCGATGCGATTTTTCCACCGCACACAGCTG
ACATTTATCTAAGCAATGCTCTCAAATGTGCCATAAAAAAGCCTGCCATACATACCGACAT
CTACAATTTTAGAGGTGATTTTAAATGCACACACAATACAATTTGTCTGTTGCATAGTT
TAACTGTCAAATGAGAAAATCTTTTAAATGCCAGTGGGAAAAACGACATCCTAGAAGTGA
CTGTGAGGCGTGACATCACCAGCTGTTATCGTTATCGATAGGCGACGTGTGCACACTACT
TGCCATCCATGTGGCATCGTTGTGTTGTTGTTATTAATCAGCGGAGCAACAGAAGTCACA
ATTTGAAACATGTCCGAGCTAAATATGGAGCTGAAAAAACTCAGGGAGCTGGTAAGCGA

>EP78596 (+) Dm CG5800; range -499 to 100.

TTTCGTTTGTTCGGCGTCTTCTGGACGATCGACCTGTCCCATTGGACTTTTGCTGGTCA
ATCTCCTCGTTTTTCGCTCTCGTTGGCGACTCCGTTTCTGCGCTTACTTTCTGCCACCTTC
TACTCGCCTTGCCATAATGCACTTGTATCCGGTTGTGTGACAACGTCCAATTTGCT
CTACGGTGGCGATTTCAATTGCCGCGTACCAGCAAAACAAATTTCTTATAGAGTTTTTTG
ACGACTGTACACTTTGGCAGTGTACCAGACTGCAAGAAACAAAAATCACGAAGTCGGGA
TATGCAGTTTTATAATATATATATTTATTTCTTGGGAATTTTATTTAATGTTTA
TCAATCGAGATCCCAGATCGAATCGAAGTAAGAAAGTAAGAAAATTAATTTCTTTCCAAA
TTTCTAGAAACGGTAATACAAATTAGTGGTCGATACATTCGACTTGAAATGCGAATTAAT
CGATTGAATAATCGTTTCTTCTCATCCCTAATTCACCCGCGTGCGAATTTCAATACG

TTTCGAAACGACCGCATTTTGGTCAATAAACAGAGGGTATGCAGCGCCAGAAACCCAAGG
>EP78597 (+) Dm CG13238; range -499 to 100.

TAATTTTAATAGCAAGTTGCAGAAAGGATAAAGTCTTTCTGACCCATTGGCTGACTATCC
AAAATGTCGATTGCAGCTGTGGATGCGGAACGTTTTCTGATTTTCGATTAAAGCTTTAA
TAAATGATCAGTTCATGGGAAAAATAATTATAATTATTCCAAGTAGCGCGAAGATAAAC
CCCTCTAATCATTTGATTTATTTGACTTATATGTTGCCATGTGTTGAACAACAATGAAA
GTCTTCCCAGAAATCCAACCTTTTACATTTACTTTATTTCTTTCTGACTCCAAGCGCGG
TCTTGGTAGGTCTGAGTACTATTTGGTATGGCCTGTCTCCTCTCGAACCTTTTCTCTCC
ACCCACTTTGAGCCAGTGAGCCACTGAGTCGGTGAGCAGTCGCTGAGCTTGATCGAGTGG
TTTTGGACCGAGATTGTCCGAGGAGTGGAGAGTGGCGGCGCGTTGGTTTCTTGCAATTC
TTGGCCAGGCGTCTCGATCAGTTGGTGGTTTGCATTTGCGCGTTGCGGACGTCTCGCTTT
TACTCGCCCGCCCCGATCTTCTCTCTCATACACTCTCCTTATATCTCGTTCCGGAATCG
>EP78598 (+) Dm CG30499; range -499 to 100.

CTGGGACGCCAAGGACTTCTCATCGAGCAGGAACGCTGCAAGGGCGTAACCATCGAGAA
CAAGGAGTACCCAGGTGTCAATGCGAAAAAGGACGAAGTGTAGGCCGTTCCACGGCATA
CCAGCACATCAAAACATTCTACTATTTAAGATCAAAGTTCAATTAATAAAACAAATT
TATTAACAACAACTTATTAAGAAAGCTACATATGTATTTTGGCTTGGCCATTACAGGGAAA
CGGCTCCGTTTGGCGGATGGAATAAATATGGATAAAAAATATGAATATTTCAATAAACATA
TTTTGAATATAATTTGTATCTCTATTAGATTGTTTATATACACTGCGTATGTGTCAA
TCAAAAAACAAAATAAATGAAAAATTTAAGCAAACTCTAAATTAATCGCTGACCAACTAC
ACAACCTACGGTGCCATCGGCAAGTTATCGTATCGCCTTTCAAATGTTTCGAGCTCCAG
CTCCCCTCTGTGTGACCTTAAGTCAACAAGACGCCACCCGCGAACCAGCGACGTGCTCTAC
TTGCTCCGCTGTTGAGTAGCTGTTCCACCAAGAAGATGCCCGTCCAAGCCAAGATCGGT
>EP78599 (+) Dm CG2249; range -499 to 100.

TATTTAGCATGCTGTGTACGGGACATTACGGATGGCAGTCATTTAGAAAAAGGACACATC
ACTCGAGAGAAACGAATAAAATTTAATAGTTTTTAAAAGCAGTTAAGAATTTAAAAATTT
ACATTTAAATGGATTGGGATTTGGTTTGGAGTTTGAATAAGTTATGTAGTGACCCGGT
GCCCAAGTGGTGATTTGAAGTACCTACGTTGCACCTAATAAATGAAGTAGTAAGTACCA
GCAATGAAGGAATGACTACGTTTTTACCAGTACTTATAAAAAATATTAATAAATAAAAA
CGAAATACTTACGAAGTATTTAAGCCGTATAAATGTTAGTCAAGCGATACCTAGGAAATT
CTTATATTACATTTTACAAATTTATTTTTTTTAAATAAAATGTATTTTTTGTGAAGCCAA
AGGCAAAGTTAACAGAAACCGCATTAACTTAACGTAACGTAATCAGCAGAGCTGCACGG
CAGCTATCGACCATTTGTCTCTCTATTCTGCGCACCCACTGCGAAGTTATTTTCTGG
AATTATTATCAATAAGTCAAAATTCGAGATGTTGGGCCGACGAGTGTGATTGCACGCA
>EP78600 (+) Dm RIB; range -499 to 100.

CGAATGCCGCGGAGAAGCGAAACGAGGAGAAAGGGTGTGCAATAAAATAGTAAAGATCGA
ACAACGAAAGATCCGAGACCAAGTTTTTACGCAACCTGCCTAAATTCGAGTATTAACCAA
AGAAAGAAAAAAGAAACGTAATAAATGCAGTCGCCAAAAAGGCAAAAGACTGGGAC
ACAGCTATGCCCTCTCCCTCGCACGCACTGCATCCAATGGCAGCAACCATATATGCAGC
TCGCACACACATGCACGCACGCACACGACACAAGCAGTCGCAATCGCAATCTCGCTCAC
GCACAAAACGCAACTGCGCGAAAGAGAGGGCGCGAGGGTGGATTTCGTAGCACAGTTTTT
CTGTTTTCCCTTCTCGATTGCAACAGTTTTCTCGCCGCTCTCTCGCTCTACCCTCTGTGC
ATCGCTCCATCCCGCTCTGGCAGCGCTCGGGAATTTGGTCTTCAATGACTTGCTGCACA
CGAAAACCGTGGCAGTTTTATTCAAGTTTGAGCGCTCGAATCTGCAACAACGTGCACGCA
AACTCTCAAAATTTTCTCAAAAACATCAAAATCACAAGGCGAGCGGAAAACCTCAAGTAT
>EP78601 (+) Dm CG18398; range -499 to 100.

TTTTTGGCAATTTTAAATTTTGCAGGGCGGCTGACGGTGGGCGGGGCGTCGGTGCCGCT
GGCCAATTAATCCACTTTCGAGTCGTATCGGCTAGCTGAATAAAGCTATTCTGCGCACTT
TGTGTTTTTGCATGCACACACAATGCAGTGGAAGAAAGTTGTTGATTTTCTGCTGC
TGCTCTCGAGTTGTTGGGCCAGTGTGACCAAGGGCGCTTGGCTGCAGTCAGATGCGCAACC
CGCGGCTGGTGCAGCCGCTATCGATATATAGATAAGTTGGTTGCAATCTCGAAATCTG
AAAACAAGGAAATCCCGTTTACAAAATAGTTTTATGATAACAATTTTTTGTAAATTTGA
TCCAATTTAAAAAGATAATATGGTTCTACTTTCAATAAAACATATAGCTACAGTTGCATT
AACTATCGCGCAGTTTTAATTAGCTATGCTGCCAACATCGTGTTCCTTATCAATATG
TTATCGATTGTGCTGGTGAATTTGTAACAAGCATCTCTAGCAATGGTCGCTAAATTCG
CAAAATTGTAGTTTGTGGGATAACAATGATAAATACGGCCAAGTACTTTGCTCTTCTAG
>EP78602 (+) Dm CG4446; range -499 to 100.

TTATAGAAGAAATATATTGATTTGAATAAAGACCAGTTATATTTAGTTGTAGAATTGAA
CATTTTACATTTTGGATTTGAAAAGGAATCGATTTTGGTGACGGCTTCAGATCCATTT
TCTCTAGCTACGTGATAGCATGAACAGATGATTATCCACATCTGGTGGTTGCCTGTATG
GCCACCTGGTAACACTGCACCATGGGGTGGTGATAAAAGGGGGTGTGTAATGAATTTT
ATTGGGTTCCAAGGCCGACAAACATGACTCGTTAATCGGAAAGACCTCCAATCTCTTAT
ACATTGTTTACGCCAATGCACTCACTATTCAATTCGGTAATCTCCGCTAAAGGGGTTT
CACTCATCGGTTATCAGCTAGCAGTTATCAGCCAGAGAAGCTAGCTATGAATTCGCTC
CCTCGCTGATAACACGGTTATAAGCTATCTCTGTGTGTGTGTGTGACTTGTAGAC

CCACCAGCTTCATTGCTCATTGATCGGCGGTCACTCGACGCGGAAAGTTCCACGGAAAG
AAGCAGCGAAAAATGGCAGGTGCAACAAATGCGGACATCAAGCGGGTTCTATCCATCCAGA
>EP78603 (+) Dm CG6418; range -499 to 100.

ACTTCCGACAAATTGGCACTAACTACACCCACACATTGCTCCAGACCATCGATTCTGGCC
TTCAGTTGCTCGAACTGTCTGTGAAACCTAGTATAGAGCAGACGTTGTTGGCCATCATG
CCATTGGATTCCGCACGCACCTAAAAGTCAATAAACTATTAGTGAAAACACTAACTTTAA
AGAAAACAATAACCGAAGCCAACAAAGTCTCAAATTCATCAATCTGGCCAGCATATCC
TCGATATTCTGTCACAGTGGATTATCTCCTTCTCCAGGTGCGGCTCTGCAGTATCTTT
GCATAGTCCCGTGATACATTCTCAATATTCGATTGCATATTTTCAGGCGTTGGTTTAATTA
GCTGAATATTTGTAAATACAAGCAACAATTGTTTTCACTTCGACCAGTGTGACCATAAT
TGAGGAGGGTAAAACTCCTATCAGCTAAAGTGTGACCCCAAAGCATTTGCCCCGTGTCCC
GCTGCTGCTCATTCTGGTCATACTGTTTTCTATTGATTTTGAAATTTGTAGCTTGACGC
ATTTGCTTGGATTTGTAGCACAATGAGTGGATATCGAGGCATTGGCGGTGGGGGCTTCCC
>EP78604 (+) Dm CG6060; range -499 to 100.

AGTTATTTGCAAGATGGTTTATCCTAATATGTATGCTGTAATTTAGTTTCTGTACAAATT
GAAATATTAATAAAAAATATATTGCTATTAATGAATATTTAACTTTTAAAAATGTTTACAG
TGCCCACTGCAGCAGCTGAACACCCACGGGCGTCCAGCCTGCAGAGTTGCCTGAATGGCT
CGGAAAAGCCCCAGTCTGCTCAAAGGGTGGGAACTACTCCGCGGAACTCCTCCTGAACCTT
GTTTACCTTGACGCGGAGGGCAGGGCGCAGACTCAGCGAGAAAAGTGGACACAGACAGGG
GAGTAGGCCGAAAGTGCTTAGACGCTTTTTCCGAAAAGGAAGCAATAGATACCCTACAGCA
CTACGTCCATGGGAAAAGCTTTTTCCGCGCGCGAGGGAGAGAGCAGCGGGCAGTGCAGCA
GGCTCTCGCTCTCTCTCTCGTTGCTTGGGGGAAAACAGAAAAGGCTTTTCCACTTTCG
CTGTTGGCATCCGCTGCAGTTTGAATTTTGAAGTCTGCGCGCTAACGCTCGTTTTCCAC
GCTTTTCCGCTCGACAATTTTCCAACGGCGGCCACAACAATTACAGGCGACAAAAGCGTG
>EP78605 (+) Dm CG14639; range -499 to 100.

AGCTTATTGGTTTTTCTGCATTTTTGAAAAGACTTGTTTAAATAACAAATTCATTTATACA
ACATCTGCGACAAAGCGAATTTTATATGCAGATAGATCGCTTCCCACAATTTTGGTCATG
AATGTGTATAAATTGGGTTTTCCGTCCATAAAACTTACTTTCTTCATATTATCCCAGTTTT
GTCAATCGAACCCTTTTACCTATTAATATTTTGCATATAAATATATTCAGCGTTGACAA
GGGGATCTCAAGCGATTATTTAAATTTGAACGCAGCGTTGGTCGCCAAGTTAGATAAGAT
CCCGGACTGTTCAAGCAGTGCATCTGCGCACACGGATCTGTGATTTGGCAACCGCCAATG
TGAAACGTTACATATTCGAAGTTGTGAAGTCTATAATAGATTACATCGATTTATGGTAGT
GCCTAATAATTTTTTTCATTATTGGGAAAACGATGCCAGCCTGGACAGATATAAAACAT
AGCAATGGGAAGGCAGGGCATATTTCGACCCTAGCAGCTCAGACAGTTCAAAGTGAAAAT
GAAGCAGTTCGTTGTTCTAATGGTAAGCAACTGGCACATGAGCGATCCCCGCAACAATA
>EP78606 (+) Dm CG10068; range -499 to 100.

TGAGCCGTCAGTTGGCTGGAAACAGGAAAAATTTAACAATACCAGAAAAGTTCAGAAAA
CTCAATATATCAAAATATATCAAAATCAATATCGGGGCGAAGAACGTAATTGGAGTTTCAA
TCAATCCGTCCAATTCTGTCAAATTTATGAATATAAATACGAACAAACAGAGTTTGCTTA
CACTATTAAGTTCTTAGTAAGCAATTAGGATTATAACAGCAGTGTGACCGTTTGTTGAGC
AGAATGTTAAGTAAATAGTTGAGAAGCATGTGAGGGGGACTCCATCCTTTTCGAAAATC
TATTTTCAATTATAGAATATATGTAAACGATTAGAATTAAGGCATAATTAAAGTGCCCT
CTTTAAAGTAAAGAAAACCTCAGAATGTTATCAAGAATACCTCAAATGCCGTCCATATTT
CCGCTATTTACAACACTGCCTGATCAGCTGTTTGGTTTTTTTAAATAATACATTGGATTT
GTTATTGTTGCGAGTCAATCATAAAAGCTTTCTAAAGACAACCTCTCAAAGTGCAATATA
GTAGATAGAAACATAAGGCTGTGATCAAAGCCAATCCTGATGTGTTGCCCTGGCAACCG
>EP78607 (+) Dm ADGF-D; range -499 to 100.

GTCAAGTATAATTTGCGCGGTAAACAGTGCAAAATGGGTTAGTCAACAATATGCAAAAA
TATGCCACGATCGCAATGTTTTCACATTATATGGACAAACATATAGCGCTACTTTGGGA
AGCATAGAAGTGGGCTTTGGCGTTCTCCTTAATACCCTACATATATGTTTTTCCCGTAG
ATATGCTATATACATATACATATATGCGCTTCAACCAGAGATGTGTGTTTACATACAGTA
TCACTTTGAAGAAGGGCATTTTGGCACTGAGCATGCTACGTACGAATTGTATTTGCAAA
TTGGACGAGGGGCGAGCCAGTGTCAACGAAAGTGCCAACCCGGGGACATCCAAACATAGCG
CGCCCCATTCCGGAGCGAAATAATCTCCGTATTGAACTGCACCAGATGCCGCTGATCCC
ACAGCGACCAAGATCATGATCAGTGTGGAATTCACAAGCCGATTTCGGTTCGGATTCC
AAAGCGGTGGCCACTATCAGTTGTTTGGCGATCGCAAGAGCCGCGGATCGAGTCAAATA
CGGCGTACATATCGGAAGTGAAGTACTGGATGGCGATGTGGTTTCTAGGTGCTTTGGTG
>EP78608 (+) Dm BCDNA LD21504; range -499 to 100.

GCACAGCGCTGCAGCGATTTCTTCTGGCCGCTGATCGCTCCACACATTGATCACCGAA
ATATCCGGTGGGGTGTCTTCTTCATGTACTTCCCCACCACGCCCTCCTTGTGCTGGGAC
TTCTCCTTGTTCGGGCGGAGAGCATCGTCGGTTTTCGGTTGCACAGCAGGATCGTTAGA
TAGTTCATGCAGACTATGTTTCCGCTCGGATTCGGATCGCTGTCTTTGTTTAGTCCATT
TTCGAGCTAAATTTATGCTGTACGATCGTTTTTGTGTTTTAGCTGGTGACCAGTGTGG
CCAATGAAGTGGCGAAACAATCGCCTATTGGCAACTTGGGGACATTCCTCATGTCTTTGC
ATGACTTTCTTTAATTGCTAAATATATAATTTTAAAAATTTAAATATTTTTTAATAAT

CTCTGAAAAATATAATCAAAAAATCATTATTTTTATTGCAAGCCGATTGCAATCGATAAC
GCCGGGCGTTGCAATCGATAGTATCTATCGACTTCTGACAACTCGACTGTTTATATGGTC
TTCTAATAAATTAGTTAATATCTTTAAGGTACACTATTGCAAACCACTTGCTGGATTCTA
>EP78609 (+) Dm CG1951; range -499 to 100.
CAGCCGCGGTTGAGCTTGGATGGCGTATCGATGCGGAAATACAGGTTCCAGAAGTCCTCG
ACGGTATTGAAGCTGTCAATCTCTTCAGCATGTCTCCCATGATATTTAGGGTCGTAC
TTTACGCCCCACAGGGTCCATGTGTTCTGCAGCCGGTGCTTGTGTTGGCACCCAACGAT
GCCAGTTTGTATTATCCAGAGAAGTCCCCATTTTAAATCCGATGACTCTTTGGTTTGC
CTTAAGTTTTCCATTTTCGAGATACTCTATGCTGAAGCCCCCTTTTAAATGCATTTCGTA
GAATTCGTAGAATTGTTTTTAAATGGACTTACAATATTTACCGACGAATGTGGTCAAGCTT
AGAGCATTGTGATCATTTAATTATTGACGTTAAAGCAATGCACTGTCAATTAGGAAACAAT
CGTGATTACTAATGGCTGCATTTATATGTAATAATACATTTGACAGGCAATCGAAACATAT
CGATATATCGCGTGATGCTATCGTGAGAGGTTGGCCAGCGCTAGTATTGATTGTTAAAC
AAAAAGGAATTTTGCATAACTTGTGGGCCGAGTTACTGCAAATTCGCGCCAGGATGGA
>EP78610 (+) Dm COG7; range -499 to 100.
AATCCGGAAGGGGCTCGATTTTCCCCTCTTTTGGACGTTGCTCTCGTTTCCAGAGGGCA
AGGGCGTGAAGTTGTCTCTCAAACTTTTCGCTATTATTTCGCGGACCCGGAGATTCTTGCT
TAACTATAGTATTTTTCAAGTGCCAGGGATCGGCATTGCCAAGTGACATGTTTTAAAAAC
CAAATAAACCTACATAAATCCAAAAAACTCCTACGAAAATATTGTATTATTTGCAGTGTG
CCCCTTAGGGCAATCCTCCTGAAATACCAAAACGCCCGCGAGCATATTGCACATCCGCA
CGACATCCGCAATAATTTAATTTTAAATAGGTTTCTCAAATTTAATAAAAAATAATTGTT
TAACTAAGATCGTAAAAGAACATATTTTCATGTATCTGCTCTGCATAATATTTAAAGAGA
CTAGCATTAAAAGTTTTCGCATTTAAACAAATTATCCGCAAATTACCCACCCGGTATTTT
CACGCTCGCGACACGGTCATACTGCTTGGATCAACGCCATCAACACCATGGATGTTTCGG
CTCTTTCGGAGACAACTTTTAGTCTGCGGAATGGATAAACGCAAACCTACAAGAAGTTG
>EP78611 (+) Dm CG9743; range -499 to 100.
CTCTCTCTCGGTTATTTCAAATCTATTTTCATCTAATAATGAGAGGTAGATGTGGTGT
GGACTTATTTGGTGATCATTAGTCCAAGGTGCTCTTTTGGGTACCAAGCCTATGCTGGA
TTGACCACGTAGGGCATTCTTGTTCGCCTACAACCCGCGGTTTTCTGAAAGTTGTTC
TGTTCCGAAGCGGCAGCATTTGACTTTGAACCGAGAGTTGTTTGTGTAATGTTTACGGAAT
GTGTGAGCACAACAGAGAATGCAAACAGAGGGGATGGCTTGAGGGTGGTGGTTCGGTTCGG
GGCGAACAGGGAATGGCGGAATGGTAGATAATAACTGTGGACGCAGCGAAGCGACAACAA
ATAAACTACAAATTTGAATGGTCTTTACCGCTGTGCGGTCGCTGTCGCCGATAGTTCTAT
GGCAGCGCAGTCGACATCGACGCCCGCGAGCGCCGCTCTTCTGGATGTAATAATGTGACC
GAATTCAGAGGGCGTCTGTAGTCACTTGAGTTCTGTTTCGCCTGGTCAACAACAGCGGAGAA
AGCGAAGCGAAAAGAGTAGAGCAGAGAGTGAGGAGCGCGAAGAATCCGAATCCCGGCGAG
>EP78612 (+) Dm EG 95B7; range -499 to 100.
GAATAGTGTTGACATCCCGCTCGGCGAGCTCAAATTTACAGACGCTCGGCCTCGAAATTTCT
GCTGACATATCAGAATAGTTTTTCTGTGTTTCGCCTCCCTTTTCCGAGGGTGTGCGCGA
GAAAGTCGAGGGAGGCTGTCTCGGATTTTCGACTGGCGTACGTGAAGGTGGTTCCCCCGG
ACACCACCTTGAAGCTGGGCACTTGCAGATCTCCAATTGGCTCCATGTGCGCCTAATAT
ATGTACGGCTAGCAAGGTCAGTGCAGCGCTTTGCCAAGTAAATAAACAAATCGCGTACT
AATGGCTTTTTTATCGCCTTCCACTTGAGCAGAGAGAACTCCTTTTGGTTTGAAAATTT
TAAACCAACTGAATTTTTCGACACTTAAGCTTCAAGTTTCGATTACTACTCAATATCGAT
AATCATCGAACCCTCTGATCGTCTGGCAACTCTTGTTCACGCACCTTATGACATTACAA
GCTGAGCCTGCGTGCGCCACCTTATCAATGTGCTGCCACCTTGCATCGCACGAAATTCGC
TAGTTTTATTGAATTTTGTATTGAAGAAATACCCTAGCAACAATTCGAGAGTGTGCGCA
>EP78613 (+) Dm GSR2; range -499 to 100.
CGACGTCGCTGCTCTCACTTACCAGGCTTTTTCACACTTTACACACGTGCGTGAGTTTTT
GGTGACGTTTTATGGTTTTTGCCCTTTTGACCGCCAGCTCGTCGCAAGTGCTACTGATTTTG
ATTCGATCGCGGGTGGCTATAAATTCGAAATGAATTACAATGCACAGCAGCAGCAGCTC
AGTTGGTCACGCACACAAATGTAGGCACATGCACGCACACAGGTGTTTTGAATCCGAGTG
AAGGCAGGGTTAGAGATGCGCAAGCCAGTTTCCAGCTGGTAAAGAGCTAGCGTCGCTTTT
AAGCTACTTTCTGTTGCTCCATTGATAGAAATTAATCCAAGCTATTTAAACCAAATGCA
TATAGTAATAGTTTAATTCATATTTATATATAGAGTTCCAACCTCTAGTTTTGTAGCTTAG
CACACTTGATTTTTGCCATCTCTAAGCAGCTGACAGCAACTAGCTGCCAGTGTTGGCAAA
CGACGCCAAACGTGCTGGAAAGCCTGTGCAGATTGCACGTGTGCCGCTCAACATTTGTTT
TTTGTACTTTGATAATTTCCAAATAATCCGGAGAAATGACGGCCGTAGAGCCAGCGACAA
>EP78614 (+) Dm ARP8; range -499 to 100.
CAGATTGTAGCGATGCCAGTCGGTCTTGTAGTGATTCCGCTGCACATCCGCGCTGGCGAA
GCGGGCATCGCAGTTACAGGCAAGTGAGTGCGACATTGTGGCGCTGAGTGGATTTCGATGA
TCGCTTGACTGGCACTCTCGTTTTCTTGGCACTCTGGAATGGCGTATTTCACAATGGAA
AGTAAGGCTGCTCAATTTAATGGTGATGATTAAAAACAAAACCACGTTCTTGACAGTGT
GACCAGACGGCACTCACGTGGCACCATCCACACACAATATACTAAACAAAGAATTTGTT
ATATGTTATATATAGAGTCTTTGAATTTCAACAATGAATTAATAGTAATTAATGAAAA

ATGAGTTTTGTAATCAGCCCTATTTTTTTTACTTTAACTTTCTGTTTTCTGTGTT
CCTGTTTTATAAATGTTCTCATTTGCGCACACGGTCACATTGGCTTTGTGCCATTTGT
TGTTGCCCTCCGATTTCCGCATTTTCAAAGGATCCGGATTTGCGAAAGCAAACGATGCAGT
AAGTGAATAAGTAAGTGGTATGTGAAGCAACTAATTTTGCAACTTGGCTACTCTCCCTTC
>EP78615 (+) Dm CG11866; range -499 to 100.

ATACTGAATAACGTTAATAGTTTACTTACATTGCAGCCGTTCCGAAGAGTCTGGCGACC
TATTAGCGGAAAACGTTTCGTATATTATCGTAATTGTTGGTTCTTCAGCCCACTAAATT
AAATGTTAAAGTATTTAGACAATTTACCCAGTCAAAGGAACAAATTCTATCTGCAAACTG
TTTTTCGAGTATTGTTATCGAACGAAGCAATGATCTATTTGTAACGACGTGCTAAATACA
TATTCAAACACCTGTTGGCACAATTTATTCGTCGTTTGTCTTAATTGTTTCAGTGGTAT
GTGGGAATTGAGCTTGAATTTCACTTTTGGTTAAGAAAAAACATTTATTTTTTGAAATG
GCTTGCTGGGCGCAATTGGAACAGCAATGTTTCAGTGGAAATCAGCCTATAATAATCGATG
TTTCTGCAGCAACTTCACTGCTTGAAGCTATCGGCGCAATCGATTGTCGGTGCCATCGA
TGCGCTTCCAGCCCTAGACACTTTGACTTTTTTGGCACGGATTGTGTATGTAGTTTTAA
TTGTGCTCGAAAACTGCGTTAAAGTGGATGTCAGCGTGGATGAACTGCGTCTCAAAGAA
>EP78616 (+) Dm CG12391; range -499 to 100.

TTGATGCTGGTTTCACTGTAAGAGGCATTACTCAAATTAATGCGCACAGCAGCGGTGAAAA
ATTATGCAAATCACGTAATTTTTTATTTTCGCCGTGTTGAAAAGTCAAGACGACATGCTTTT
TGTTTTCAAACGCTGCTTTTAAAGGGGGTGGCCTATGTATTGTGCCCACTTTTATTGCAA
ACACGCGCGTAGGTTTCCCTTTTGCAGACAGAAGGTGCATGTATTACTGACACTTTGCGC
CTTCTCCTAACTTTATTTTCGGTTTTATTGTTTTAAGCTTTTCGTTTTGGGCTGCTGAATT
ATGTTATTTGCGAGCATTCTTTAAATAACGAATTTCTTTACTTTTCAAATTACGCGCCC
GCTGTGCAACCTGCGCACGTTATCGATTGCCAGTGGGCATGCGCACAACATATCGATTAC
CGATGACAAACAGCTGTGTACCTATACTTATCCAATATGGCTGCAAGTAAAAAAATTGT
AACGCTGTGAAAAAACTGCAATTTGAATTGCATTTTCCGCTTGAGTATTAGATAGAAAAAG
TGCAGAAATGTGAATTTGTGCAACGAAAGTGAACACTATCCGAAATCAAGTGCAGC
>EP78617 (+) Dm MGN; range -499 to 100.

GCCGAGCGCAAATTAATGGCCGTGTGTGTTTTGTAAATTACTTTGACCGAGATACGGG
GCACTGGAGAAGGATAAGGACATGGCGATGGCTATGGGCGCTGGAACCGGAGAGCCAGCC
GCATGTCTCTCCCATTTTAGTGACATGGACGCCATTACAACGGCGATGGCCTCGCACAC
GCACACAATCACACGGCCGCCAAACAAACCCGATTTGCCAACTTTGTTTCAATTCGCCAAT
AATTACAATGTTGCCCAGCGAGTTTTCGAGCACCCTTTAACAGATGGGTTCTCACACACCG
CCCTGTGCTGTCACATCTGTTGAGGTAGTTCCATGGCATCCAAAACCTGAATTACATTTT
AATAAAAAATCAGTGCCAAATGCGCGACTTGTACGTGGATTATTGTTGTGTTATCGATACG
CCGATAGGCTGGCTTCTCTTCTCATCCCTGCCAGCCATTTCGAGCGAACACTTATCGAT
ACGCGGTGATAGTTATTCCGTGTGTTTTCCCATCTCTAACGCGTTGTAGTAAAGGAAAA
GAGTGGGAAACCAAAATTTGATTTTTTCTGAAAGTCTTTCAAAGTTACGCTTTAAACTA
>EP78618 (+) Dm CG9304; range -499 to 100.

GATGAGACGCCCATTTGGGTAACCTCTAAAGAGTTCTATTGTTTCAATTAATCCTAGAATTG
TATGCTATTGTTGTGAATTTACAAGGGAATTGAAAATGTGCATACTAAAATCGATAACT
TTTGATAATAATTTAATGCTCTTATGTGTACATATTTAATTATATAAAATGCCTTTTTAA
CTCATAGTTACACATTTTAAATAATTTTCGGGCTTCAGTTGTATACCTTAAATTTTAA
ATTTGCGAGTCATCCTCTTCCCTTTAAATATAAAGTATTTGTTCAACAGTTGAACCTACT
CTGTAGGTTTTATTTATTTTAAATGCTTTTGTATATTTTCAATTTTAAAAAGTTC
CCCAAAAGTGAAGGATGCTGTCTCGGCTAGACGAGAAGCCAGGAGTGTGTATCTGCTAAC
AAATCGATATCAAGAAACAAGCTAAATTATCGCGAGAAACATCGGTCTCCGATGACAAAT
GCATCGATGCCGTTTTGGCATCACTAGCGACTGCGGATTGTGGTGTGGAAATTTCCGCA
AAACAAAAATAAAAAATAGACCTCGGTGTGCCAACTTGCAAGCGATGCACAAAGGGGCGCC
>EP78619 (+) Dm BG DS00929; range -499 to 100.

CTTCGCATCCCACTCGTGCTGCAATTTTAAATGAGAGAATCAATAACCTTTATTCATAAAT
CAGAGTTTGAATTGTTTATGCAGTTTAAATAATTATTAATGAAAATTTCTTAAATTTTT
TTAAACATGTAAAGGCTTTGGCAATATTATTTTAAATACTCAAATTTCTTTTTCA
TTCTGTTATATATATATCAATGCAGTAATTGACCCATTAGTTACAACTGAAAACGAGGT
TCACTGTTTCGATTGATTTTATTCGAGCGAGCAAAAAGTATTTTAAAGCATTACAAGT
AAATTCAGATCTTCTTCCGGTTATGTTGCTAATTTTAAAGTCCAGCCCATCGCAATAA
CCATTAACCTTGAGCTGGGCACTTGGTATAACAGTTTATAACTCCACGGGATCGAATATC
TGTGTACTGTGAGCTTAAAGTCCGCTTGTGTTGGATCCAAGCCAGCATATTAAGCCCGA
TTCCAAACTAAGCTCTTGAGTTAGCGCGCTCAACTCGAACTGAACGGAGGTCCAAAAAA
AAAGAAACGAGCAATCAAAAAAAATCGAATAATTGAAAAATCCAAATGAACCCACTAG
>EP78620 (+) Dm CG7458; range -499 to 100.

GGACATCGATAGATATTGGGGAATAAAGTGAATAAATTTAAAAAATTTTTCAAAGTG
TGGGCGTTGCACTCTTGTGCGGTTTATGGGCGTTAGAGTGGGAGTGGCAACATGGGCTCA
CAAGTCTAGATCGACTCGGCTATTGATCCTGATCAAGCTTCCTTCTGCCTGTTACATACT
ATTCAATGAATCTAGTATACCCTTTTAACTAGGAGTAACGGGTAAAAATATATTATCTT
AACGCTTCTTCTACCTGTTACATACTTTTCAACGAGTCTAGTATACCCTTTCAGTCTAC

GAGTAACGGGTATAAAAAGTCGAAGCTCTTCCATTTCTTTTCGCATATATGTAGTTTCGGA
TTGGGGCCTGATAAGACCCCCGATAAGAGGGCAGTATGGAGAAGAGCGAACGGATTAAAAA
TAGAACGCGAGAGCGCGCCGCAATCGGAAGAGAATCAAAGACTAGAATCAAAACACAGCA
CTGTTGATGTGGTTAAATCATTCTGTTGAGTGGCACTGCTCCCAGCGAGACGCTCCAGAGC
GTCTATAAATACGCCACAGAGCTAACGAGGCGGAAAGATCGCGCGCCGCGAGTTATAAAA
>EP78621 (+) Dm CG11367; range -499 to 100.

GTGTTGCTGCGTGGACGAAAGTCTTAGGCATTTTGTCTTACGCCCAACAATGATCGCCG
GCACAACATATTTTCCAGTATATGATTTATATTTGTTGTTACTTAATTTGATATCGTCTA
TACAGCTGTTTCGGTTAGTGGGACCAAGCTCATTTTTTTCAGTTTTTCTAATTAATCGATAT
ACAATGCTACACCATCGACGGCTACAAACAATTTATAGCAACTAATTGTTAAGTGAAAAA
GATGAGAGAAAAAGGCATGTATTTACACAGCAATCATTATACATTTTAGGTAAACTACA
AAGGAAATAATTTATAAATATAATATAAATCACATTATTAATTAATTTTAAAGAAGAAG
AACTGGAGCAGTCCGTATAGTATGGCTAAAGAAAAATGCTAAAATCGCAGCACTGCACG
CTCTCTGTCTCTCACATTCTTTTCACTCTCGCTGCGGGAACCTCGAAGTTCCAGTCGGA
ACGTCAACGTCGAGTGGGCGAGTCGTACGTCGATTGTTGAGCGGCTGTGGCACATATATAA
ACAATAAATACAATTCGTAATTTTAATTGAATTAAGACAATAACAACAACGGTTTCTGGG
>EP78622 (+) Dm CG5451; range -499 to 100.

TTCAACCCGCTGGTTCAGATCGTTTACCGCGAAAAACAAAAAGAGCGGGAACATCGCCA
TTTGTCTTTTTTTTTTTAATCGGTGTTACCTATCGTTATGCTTGTCTTTTGTCAACCGG
TGATCGGTAACGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTCTATTCTATTGCCGTAATGTTTTTA
CATACATCTTTACAAAACTTAAAGTTTAAAGCAATGCTGGTTGAATTACCTATTAATGA
TATAATGTTTTTCTGCCACATGTGCTTGGTGGACATTGCTGTTTTTACAAATTTATTA
TACAAATACCACTGATAGCAATAAAATTAACATTTATTGCTCACAACTTTTATGGCCTC
TTATTTATTTTATTTAACGTTGTGAAATGAATTTTCTTTTGCCTATACTGAGAATCAGC
TGTCGGCGATAACGATAACGGTCAGCTGTTCTGTGCATAGTATCTGTTTTTCGCCATCCC
TACGACGACGCATTTTTTATCAATATTATTGTACATTTTATAAACCTGTATTAAACCTT
ATTTTTTAAAGGAATCTTAAACCGGGAATTAGTTTACGATGTCCATAGAAATCGAATCA
>EP78623 (+) Dm CG15565; range -499 to 100.

TTTAGCCGGCTGCCCTGCGTCACCGCGCACGTTGCAACCCTAAACAGCTGTTTCGCAGCAG
CTGTTCTGCACTGTTACGTCAAAATAAAGTAGTGAAAAGGTGCAAATTGCGTGCGAGTTA
AATAAAAACTATTTGCCAGGCGGAAAAACGCGTTTTTCATCGGGATCTTTGAGCGTCCAG
TTGTTGCGGAACATGAGGACACTGGCGGGACTAATTGGTAGTGGCGGTAGTGGCCATAGG
ACCTCTGTGAGCAACGCTTGAAGTCCAGATATATCCCTCCAATAGTGTGACCCATAGGTAG
CCTGGGGTCAATCCAAACAGACCTCGACCCCAAGTACTGTAAACCGCGTGGCTGCCTTA
GCCACCGAAATCCCCGTTCAAGTTCAAGCCGATCTTACCTTCGTGAGCGATCGTTTCCAC
CACAGTCGGCCAGTGGGATTTCCACACACCTGACCGCGCGCACGCGCATCGATTCAAAA
ATCCACAAAAAGCGAAACACTTCGCTGGAGCTGCTGAAGCCAAACGCAAGCAAACCGCG
CTTCGCCGTCGCTCGAAATCGTTAGTCCATCGATACCCCGAAGTCCGACACAATCGCG
>EP78624 (+) Dm L(1)1BB; range -499 to 100.

AGGCTAACAGTTAATCAGTGTCCGTTTTGCTAACAATATTGCCTTATTAGAATAGTGCT
ACCATATTAATAAATACATACAAAAGCGCCGACTGCGATCAATTTTTTTATCGTCTATCG
ATCGAATTTGCGGTTAGGCGGAAAAATTCAAATGTTTCTGGTTATGAGCTGTTTGGAATA
GTCCAGCATTTTTAATTTATCAGATTAAATGACTGAAAATATAAAATTTATTACATTTG
TATAATATATATATATATATATATATATATATTTGTATAACTATGGATTTGAATTGGA
TGCTTGTCTGCTCGCTCGTAGTTTTAGCTGAAACATTTATATAGCCAATTTTATTTAAAA
AAAATTTTGTTTTAGGTAATTAATAAAGAAAGGTAGAATTTTTTTTATTTCAAAATACCC
ATAACCAACAACTATCGATATTTATTGACTATCGGCCAGGGTTGCCAGCCGTGCGGAATT
TGTTCACTTTCCCGAGTAGATTTTGGCCACCTTTTGTGTAAAGACACAAAGAAAACCAT
GCAATTAATGGACGCCGACTGCTGATGCGATCGGAATTAGAACCAGGCAAGCGGAGCT
>EP78625 (+) Dm CG12075; range -499 to 100.

AATTTGCAAATGCATCTATAATTGCATTTATAATTGCATATTTAGTGCAGTCTTTACCAC
AGAATTTCAACTGAATTGATCTGGTTTCAAGATCATCTGGCCAGGGTGCGTTATATAGC
AGTGTGGGTACTACTACTTACTTTCTTTGCGGCCTAAGCCAAAAAACAAGTTCGGGCT
CGGCTCCGTTGGTGCATCTACACAGGAAAAGAAATTGTCAAAGTTATAAATTGAATAAT
TTTTAAATAAATCTTTACTCAGGCAGAAAGTTGTTTAAATAAGAATATATATGAATATAA
TTTATATCATTTTTTTTTTAAAGAAATTACGTTTTAGTTCTACAATAATATTGAGTGCTAG
TTTTTTTTTTTTTGCAGTGCACGGTCTGGGGCGGGATCGGCTTGCGGACGGCGGGGGGGG
GGGGGGGTTGGGGATTGGGGGTTGCGGCTCGGTCGTGAGCTGTGGGCTCCGAGCGGTTTT
CGAGGCAGTCAGCCAAGTCAGTCGATTGCTGGCGTTTCAAGCGTTGAGACGTCTGTTTCGC
GGCTGAAAATTCAAAAAAGAAAGTGGGCGGAGTGAAGCGAACTCTTTTTGTAAAC
>EP78626 (+) Dm CG14407; range -499 to 100.

AATATTCCTCAAGCAGCAGCTAAAGTACGAGGAGAGCAGAAAGAAAGTGAAGAAGGATAG
CACCAATCTTCGCTACAAAGCGATTCTCCGCCATCTGGCACTGGATCTCCCGGATTT
ACCCGATTTCCGTTGGCGTTATGCGGGAACTAGCCAGCGAATGGAGAATATGATAGGTCC
TGGCACGGCAACAGGACGTAAGAGGCCAGGCCGCGACATCCAGTAATCCTGGCGAGCT

CCAACGATCCTATACGACACTCCACTAGATTAAGTAGGTTCTAGCATTGTACTCATAGCT
ATGTATGCATTATTATTCTAAAAATACATTTATTTTAATTGTAAGACATGTACTTTTATCA
TAACTGACTACTCCTGCTTTATAGTTTCTATAATATGCATAAAAAAAGTATTAATAT
TATGAAAATTCTTGAAATGCTTATAATCGAAAAACGTTGATAGTCGATAGGCCGTTTCA
TCGCCACTCGAGCGAGCTATCGATACCTTTTATAGCTGACACTTGAACAGCACTTGTTTTA
TTAGATAATATTGCTAATATTATTATTACCTCGACCAAGTCGCTGCCGTCAAGATGAACC
>EP78627 (+) Dm CG5004; range -499 to 100.

AAATATTGATACAACACCTGGAGTTAATAAAAAATTGAACTAAATATCGCGGCCCATG
TACAAATAAATATAACAAGGAAAGTAGAGTGTGAAAGTGACCGTTAAAAATTAAATTGA
TGTTAGATGATTATCAACTAACGCAGTTACCTTTTAAGAGTTTATTGGAACCGAGGATT
GAAATATTGGAAAAACGGTGTAAACCTTACCATAGCATTGTAGATAGATAGTAAGATCGA
GGTCGTTTATAAGCCAGGTAGGGCGAATGTAAGCTGTATGTAAATACAAAATACTAGGAA
CACTAATATCGATAGAATAATTAGTATGGTTTGATTGAGATCGAGATTGAGATCAAATAA
AGTATATTAAATTCCTATAGCGGCACAGCAGTAGTATTTTCGCTGAACAAATTAGTATAT
GGTACATGGTATTATTTTATGCCTTGCGATATTTATAACTCTTACCGCGCTGGTCACACT
GTCCTCTTGAGTAGTTGCTGTTGTTGCGTTGCTGAATTCGTTCAAAGCGATGAGAGTT
TGTAATAGTCCCTTCGTGCGCGTTTCGTGCGTTTATTACCTTTTTCGCCGTGTTTGT
>EP78628 (+) Dm CG17337; range -499 to 100.

ATTTATATCGCGTCATCATATTTCAATTTTAAAAATATTTTAATTTTCCCTTTCACAAG
TGAATTTTCGTATTGAAAACGTTATTAAAAAAATGCAAATTTGTCGTTTATAAGTAACC
GTCTCAAATAATAACAAAAGCTAGAATGATAAAGGCTTACTTAGAAAATTTTTCACATA
ACATGGCATGTCACCCATAAATAACAGTAGTTTCTTTTCAACATAACCATTTTGTCTTT
AGCTAACTATTCTTTGGATCAAACCTTGAATTCTGTAACCTAATTATAATACGTAAGAGA
AGTGGCGATGGAATCCATTTATTATGGAACATATCAACCAGATGATGGATGCATTTTCGT
GGAAATACACTAAAAATTTATGCACATATTTAAGTATATAATCGCGTTATGGCCAAGTAT
TTTTATTTCTCTCCGCGGTACACTACCGCCATTACTTGAGTTTTATAAATATAAGCGC
GCGCCGACAGCAGGTTAGATTTAAATAGCTAGAGACCGGAGACGATTACAGCTGTTACAG
TATTCCATAGAAAAAAGCGCGATGCCCGAGTTATCAAGTGAACCTTCAAAAATCTTTG
>EP78629 (+) Dm CG1620; range -499 to 100.

ACCAACCGCAAATTCATTCATTCCTATTTTAAAGCGCAACTACAAAAATGTTTTCAATAA
AAAAATTTCAAATTTTCGTTTCTGTTTATCACTAATATGTAAGAAAAATTGCACAT
AATTAATTTATTTGGAAAGTTTATATATTGCGGTAGAAAAATAATTGATTGATATTTGAA
TATAATTTTTTTTATTTTTCGAGCAGCTTATAATGTAAATATATGGACATGTCAACGTGG
AAAATGTTGTCAAAGCTTGCTAAATATTGATAAAGTGATTATACATAAGAAGAGCACAT
ATCACTTAAATTTGAAAAGGCAGAAAAACTGAATCTTAAATTCGTGTAATTAAGCATT
CTTTGGAAGCCAAACAAAAACAATTTGAAATATATAGGAGTACCCCAACTAAAAAAGG
AATATCCAGTTAGTGCGTTTTCGCGCATTTGCGCAGGCGAAGTGACAGATATTTTGG
CGCTCTGGCTGCTGCCACACTGTGTGTACGGAATGATGGAGTTCGGGAAATCGTCGGA
TCACTCCAGCACAGCGCTTCGAGGCGTCGGCGGACTCCGGCAGCCTGGCAAACAGCGA
>EP78630 (+) Dm L(2)K16503; range -499 to 100.

GCCCGAATTCGATTCGGCACGGTCTGTACAGATTGAGTGCGGATTTCTGACTGGGAATTC
TAATGAGTGAACCCGATGCACCTTTGCTGGTCTGCGGTTCATTGGTATCGATAAGCTGATAT
GCTGATATTCGGGGCCATAAACTGTTGAATTAAGCGACCGTATACTGCCTGTTTTGCACC
TCTGATTTAATGAAAATGTTTCGTGGGCGCGGGGTGGGGGGTCTGATCAATGAAATCGGC
TTGTCTTAATTCATAATAGTGCTTATCGACCTGCGTGGAATTAGCCAGTAAACATGCAA
CCAGATATGGCGGTAATCTTTATTTGGCGCCAGCATCGATAAGGTGGCATTTTGGGGG
GCGGAAATGATTAGGCGAGATCATAAATATTTCTCTTACAGATTCAAATTTGAAGTGGA
GAGACGGTTATCACTCGTGCCTTACCAATACTGGCTTGATGGTTTTATGGGTATGTGCG
CCGTAGTGAGCAACGGCCACACTGTCAAATCCCTGTGAATCATTGTTTTGTGTTTAAAC
TAGAAAAATATTTGAGCCAGAAACAAATTACGAGATGCAGGAACAAAGTCCCGAGCTGTAC
>EP78631 (+) Dm CG8505; range -499 to 100.

CTATTTCCGCCGGCTGATGCAATTACCAAGCAATAGATTTAAATGGTGTAGACGCTCTGC
AAAAACCTGAAGCAATTGCATAAATTACGTGTACTTAGTACCGAGTTGGTTCTTTATTTT
CAGCCCAGAACAACTGGGCCCTTCGCCGAGTCGTGCTTCTGCTGCTCTTTGGAACGGC
GACGTCGACGGCGACTGAGACTGCGACTAAGGCGTTGAATCTTTAGTTTAGTTTGTCTTC
TCTTTTCTCTGGCCAGCCACCTCGTCACCTACCAACCCACCCACCAATCTAGGCACCCAT
ACCCATCCCCCTACTAGCCAAGTTGCGAGTTGGTTGTTAGTTGTTTCGTTGTTGGTTTTGG
CCGTACTCGTGTGCGAGCTTTGCATCTTGGCTATAACGTGTGTGTGTGTGTGCGACGC
TTTGCCAACCTGAACTGAATTTGTTTGCAGCCTCGCCAGTGCAATTTTCGTATAAATAGAC
TCACCTGCCGGCATTGGGCATCATTAAATAGAAACGTTTCGTTCAATTAACAACCTGCAGTG
TGCTGAGGACCCAGACGAAAGGATACACTTGCCTTTTGGATTACACTACCGAATTTCTAA
>EP78632 (+) Dm CG3790; range -499 to 100.

CTATGCCTCCTTGGGAGCATTGCTCTTCTCCGTTTACTTGGTGTACGATACCCAGTTGAT
GCTGGGTGGTAATCATAAGTACTCCATCAGTCCTGAGGAATACATCTTCGCCGCTCTAAA
CCTCTACCTGGACATTATTAACATCTTCATGTACATACTGACCATTATCGGATTGTCTCG

CAATTAGACTGGTCATTATGATCCATAGCTTCTATTCCAGTTTTAGAAATGTAACCTAAT
TTTATGTGCCAGTGCCACCTTAGCCGGAAGAAATACAAGACGACTAACTAATCCAACA
TTGTGCGAGTGCTCGCTTTGGTTGGGATTTTGGCTGGGATTGGGGCGCGCTCAACTAGTT
CGAACCTTGTCACACCGCGGTGTCGAATTAATTAATGCGCAGAGAGGCCGTAATGTAA
TTATGTTCAATCAGCCCCTGCAGCGCCACCAGTTCCTGGACTGGATTGAATGTGGACAAG
GTGATCGGCGCGATCGTCAGTTGCGCGAGCGTCTGGCTAACGGGCGGACATGGATTTTCA
CGAGGTGCTGCGGGAGGTGGGCTCCTTTGGTCTCTACCAGAAGGTCATCATCTGTTCCGT
>EP78633 (+) Dm CG8331; range -499 to 100.

ATATACTTTCTGAGTGCTCCACACACCACCTTGACATTTGTGTTTTTAAAAAGTTGCTC
CATTTGCGAGATCGTTATGTTTTCTCCAGCGCAGAACTGAAGAGTCCAGTCTCATGG
AGCCAACCTAGATTACTGTAAATCCTCGCATACAATTGTTAAGTCCCACGATGTGACAATC
CTAAAAATTTATAATTTTATAAATAATAAAATTGTTTCATCAAAAATGATCCCATGAGTTTA
CCATTGAATGCACGTCAACTGCTATAAGTTTTTTTTCTTATGTAATTTGCTGCATAACAT
ATTTACCTTTCTAATAAAAGCTTAAATAAATTATTTGCTGTTTGCAAATTTTACTGTGA
AAAAGAAAAAGCCGAGTATTGCAATTTTAGTATGACCTCTCCTTATCGATAGGCGGCG
ATAGATGCGAACAAATACGCATCATGTCTTCGATTGTCAATAGTCCATTTGGCACCATA
GGCGCAAGCACAAAATCTGACTGGCATCTGAAAAGTCGGCGGCGTCACATATTTTGTAT
TGACTATATATTTTAAAAACAATTTGCGCAAAATGGCCACTCAGGTGAAGCAGTTCTTA
>EP78634 (+) Dm CG12400; range -499 to 100.

CAGCGATACTGATTACCAAACGAACAAGAAACAGAAATAGTTGCCTTGAAGTTTACTAGT
TTTTGAATGCTATAAATTGCCTTAAATACGCCTTGCTGCCTCTTAATGTTAAACGTACT
AATGTAATATTAATAAATGAATTCAAATAAAAGGAAAAACATAAAACCCTGGCTTGAAC
TGAGATATTTTCATCATGTGGACAACATTTTTCATCAACGTTTTGAATTCGTTATTTTTG
GTTTGTATTTTCGTTAGTTAGTTAGTGGCTAGTTGAATATTTATTCTGATTTTAGTGCG
CGAGTGAATAATTTGTAGTTTCCAATATAAAAGGAACCAATAAAGTTGGCAATGTGCAA
TACGTGTTTGTATATTATTTAAATTATATACAACTTACGTTTTAAATAATCGTTACGG
AACTAGTTCAAGTTCGCACGCTATCGATAGCTGAGAGTTCTGCCAGTGACATCGCTAACTG
CGTTAGTTGCCACCGCTATTGTTTTTCATCCTATCAACATGAGTGCCGTGAACGATCCG
CTGGAACTTTTGACGAACAAGGGCACCCACGAGCCTTCTTCTCTCGCCGATATGGAAT
>EP78635 (+) Dm CG8668; range -499 to 100.

CTCCCAGGTGAGCGATGTACTGCGGCACGTCTTGTACCAGTGTGATCAAGATTCTCC
TACTGCCACTGCCGAGGAGTACGTATTGGTGCCCTGGAGCGTCATGGCACTGGGATTAC
AACCCAGTATCCGAATTACGGAGGAGTGAGTCTGGTAACAGCCGGAATCAGCGCCATCT
CTTCGTTCACTAAATCTGAGAAAGCGATAAGTATTCCGATTACTATGCACAATGAAGTTT
GCGTTATAGTTACATAAATTAAGGAGGGAAATGAAACACTTAAGGAAAAATAATATTAGGG
TCCAATTTTTTCGGGGTTTTAATGAACCTTGGTCTATCAAGAAAGGCGCTATTATATTG
CTGCAAAATTAACAGCTGTTGGTCTACAGTGCTGTTAACCGTCATAGGGTGACCATAACA
TATGCATTTTAGCACAGTTATCGACTTATCGAAAGTAAAAACATAAATTTTAACTTATC
GATGTTGCTTTACATCACTAATGTTGAGCTAATCGCGAACAAAATCGGTTTGGTTTTCGG
AAGTGGGAGTAATGGTGTTCACAAAAAAGAGGAAAAAATTAGAATATTTGCGTCCGC
>EP78636 (+) Dm CG17597; range -499 to 100.

AGTACGCGCCCTGCGTACATATGTGCAGCCCTGAATAAAGTGAATGCAGTTTATTTTTT
TATACAAATAAATATCTATAAGAAATTGAAATAGCCATAAAAAACCAAGTCAATGGAAAA
TTCGACCATTAATGAGTTATTTTTGCAACGCTCATGGCTCTTATTTGAGTCCACAGT
TTTGGAGGCATTGAAAAATATCAAGCGGTGTATCATAGCTGGTAGCCCTGTTGATAGTG
CTGTCATATTTAGCGCTTTTAACTTATAAACAACAAGGAAAGTGCTCTTATAAGCATT
ATTACATTATTATTAGACTTTCTAAAAGATAGAGATCCCACCAATGCTTATGTTGTAT
GCACGTTTCTCGTTTACAGATGCATATTTATGAACTGCATAGAAGGTGAACAACAAATTT
AACGGGAAACAAGCTGAACCGACAGATCTAGCCTTATCATATCTATCGTATATAAGTCCG
CAACCTGTTGATCCACTTCAGTTCGATACAGAAAGTCCAATCCGTGATCCCGCAAAGAACC
AACAGCCGAAAAATGACCAAGACCAGAGTTTACGTTATCGGAGTTGGCATGACCAAGGTT
>EP78637 (+) Dm CG14989; range -499 to 100.

ATGCCAGGTGGGAGTCTCAGTTGCGTTCGAAAGACAGGCGATTGCATAACCCCTTTCGGT
TTGGCAAATCAAGCGAATGATATTCGGATAGCAAATGCTCGGGATAACAATGGTGTAAAG
ATTAGGCCCCGAGGCAAGTACCCCAAACGCTGCTTTTTGCTGCCTATTTTTGAGAGCGC
GATAATTGCATTTGAGCACAAATTGCTCCTATTGTACGGGGCCAAACAGTCTCCATTTTG
GCCAGTCTCCTCGAGGATAATACGCCCCAAACAGCGTGAAAAACCCATCCCCAGT
TCCGTAATCTACCCATCTCTTTTCAGCCCAAGCGATGGGAGAGCGTGTTGAAAAGCGACAG
AGAAAAATGGGGGGATGTGGATTACAGCTCGTCATACCATTTGGTCACAATCCTCATCCTG
GCTGCGCAGGCGCAGGCTGTGACGTCATCGCCGCTCTGAAGGACGACACTTTGGGGGAT
GCTGCTCCGACGGCAGCGCATTACAGCAGCCAAAATCCTTGAAGACGTCCAAACCATCAGC
GCAGTTACAGATTGGAGTTTGTGTGTAAGAGCTCTGCGGGTAAGTTTCGGATAAACAG
>EP78638 (+) Dm CG6017; range -499 to 100.

AATAAGGCGCGCTTTTGTGGTAGGCACGTTAGAGTGACCGCAGCTAGATGTAACCTACT
TGTGAACTTTTTTAGTGCTCAAATATTTCAAAAATATGAACCAAAAAAGGAGACTTT

AAAATGTTAACTTACTAATATCAGTGAAGGTTATTAAGATCACTTATTTCTATGACCTGA
AGATAAAGGGAAATAATTTTTCAATTCCAAACATTATTAATTAATTTCTCCCAAAAT
TTACGTCAACATTTTCATTTATATTAATACGAATATAAGATAAAAAATGAAAAACAAAAAT
TAAAGTTTTGAATGGGGATTGAAAACAGCGAGTAACACATTAATAAGCAAAAATGAAA
ATAATTTATTTTTTAAATTTTGCTATAAAAAATACCACACCTCTTCTTAAAAATACCAAA
CAAGTTGCGAAATTCCTCGGATAGTGTGGAAGTCGCACCACACATTCAGTGCTATCAG
CTTGCAATTGTACCACAAAATGTCTTAGTCCTCCGAAATGGCAGGTAAAACGCATTA
AACTGATAGCCGAATAGCCGTGTCGTACCAGCAGATCCTGCCGAGAAACGAGTGCTAG
>EP78639 (+) Dm CG5027; range -499 to 100.

TATTTAGTTAATACAATTATTTAGTTAAGAAGAAATAAGGAACAACAACCTGAAACAAAA
TCCTCTGGAGATGCACGTGTGTGCTAAGAGTTGCCAGATAGTCTATTTTGTGAGGTAAA
CAAAGCTGAAGAGTTGCCATCTGACTAAAAATATACCAGATTAACCCTTAGGCAGCCGCT
CTATGGCCGCTCAAAAACCTATTTTCAAAATTAATAATCTTTTATAAATGTAATTATTA
ACTATGTCATTATTAAGATAAATCTTAGAGATGCATATAAAAAATTTAATTAGTTTT
TATTTGCAATTCATTTTAGTTTTAAGGTTATAGTAGAATGAAAATCTTGAGTTCAATAAT
CTTTTAAAAACATAATCCAACAACCTACAAAATTAATAAATAAACTTGTTCAATTTACGC
ATTGGACTAAAGAGTATCTCTTAAGTATTTTGGATATTTTCCACATCTGGTCAGTCTAA
AGGGGGTGGTTTTTGCAAATGTTTTCTTTTGTGTTGCTGTGGTCCGAAGGAAATAATT
TGGAACTGAAAATTAACCAATCAACTAATTAATTAAGTAAAGAAGCTATTAATAAAC
>EP78640 (+) Dm SSL1; range -499 to 100.

CGCGCGAACTCTGAATGCCAAAGCGAAATTCGGCTGCACGGAATTTGCCAGAGATGAT
TTGGTTCCGGCTGTGCGGACCTTAGAATGCTCTTCTGTGCTAAGCTATTTAAATCCTAAT
ATTACTGGGAGTGATTGCCTGTGATAGCTTTAACTAACTGCAGTCCAGTAAATTTTA
AGATTTTGAAGTTTTTTCGAATATAGTATATGATATAAAACGCGGGTTTCAATGCTTGC
ACGGTTTTAAGTGCCCAAACTTAGGGTGTAGCGCCCTTTTCAGTTCGCCCGTGTGGCGGT
GCACTTAGTTAGCCAATTACGCGTGTGGTGGGTATATTTATTGATGTGGCAACTTTGGG
CGCAATAATAATAATATTGACTTTTTTTTGTTCATATTAGGTAAGAAATTCGAAATTATT
TTTTATTATTTCAATTTATTATGTCATTCTTTGTAGATATTTATTGATATAAATACTTA
CCCAGGGTTGCCACCCAGTGATTGTATTTAACGTAGGCCCTGTGTGTACACACTGTTAC
ATTAGCCGGCGCATTTTATTTAGCGTTAATTGCTTTTCTTTCTTGATTGACTTGGTAGT
>EP78641 (+) Dm CG32350; range -499 to 100.

TAGCCATCGACGGAAGCCCTTCACCTCTGGAGGAATCTGACGACGACAGTATCGCAAGA
CGGTGCGATCAATCTTTATATAATTTATATTCTTTATCAGTATCAACAGCCGAGTCGA
TAAAGACACGCGGTATGTTGCGTGCACCGTTTCTATGTAAGCAAGGCCTTAGTTTTAA
GCCATCTCCATGAAAATATCCCAACATGTGATTTCTATTGCTGGAACGGGCCGATAAAT
GCCATGTAGATACGTGTTTGTTTTTTTTTTGTGCTCATAATGTGTTGTTTTATTGCGTT
TACACCAATTTTACAGTGTGAGAAATCCGAGCTTCGTTTTTTCAATAATTTCTTAAAG
ATTAATTACTACATAGCTTATTTAATAATTATATTATATATCCACATCTAAGATTAATA
TCATAACAATTGGATGTGCTTAGTGTAATTTGCTTATAAAAACTACTTTATTTTCATA
TTGCACTGTTTCATTTTGTGGCCAACCGTAACGTCACACATGTTCCACTATAAGAATA
AATATACACATTAATAATAGTATCATCGCATAATTATATGAACTATTGACAGAATGGAT
>EP78642 (+) Dm CG2016; range -499 to 100.

CGGATGATTCATGACAGCCTCATTACCAGGCTGCAATCGCGGCTGTGGGAGGTTAGGCTC
CGAGTCAGAGACCCCTTACACTTAACCTTCGGGCCTGCGGCCCCGGCAAAATTACTACCC
GCAAAATGTACACCGAGAAAAATCGTGAGGTAATGTAGTATTAGGTATTTGGGCTATATTAT
CAAAACGGGAATGCAATCTGCGGGTAGTAAGAGCAGGGATATCCCATTTCATCCCATAGG
CATAAATACTTACTTAAATCCAACATTTTTGGAAATATCTTTCAGACCTAAACCCAACT
CTAAATGCGTGTTTATATGTTATGGAACCAAGCTTAAGGTCCCAGCCGACGGACTG
TCTGCCCCACCGATTTCTGGGGTGTGGCAAGAAGGCTGTTGTTGCGTTTCCCTTCGCCA
TCTCTTTTCGTCGATTTTTCGCCAGCGCTTTCGAGCTTCTGGCTGGTTAAAATGGCTTGA
CCAACGCAGGCCGAGCTCATTCTCAGCCGAGTCGCGTGAAAGTTGGACGCAAGTAAGC
GCAGAGACGAAGAAAGCAGAAGACAGCAGACAGTCGGATTCTTTATTCAAGAACAACAG
>EP78643 (+) Dm CG5641; range -499 to 100.

CAAGCTCTTCGAAGTCGCTGTTAGAAATGAAGATTAATTCTTCTTCGAAAGTGCTTCTT
GAGGTGGTTCGTCCTTCACGGGGCGTTGATCTACGTTGCCAGATCCATAGTTCTGAAAA
CTATAAACATTAGGATTCATCTAGTGCGATTTTCACTACTTACGAATAACTTCATGC
GCTTTTAATCCGATTTTAGCACCGGAATTTGTACAACAAAAGGTAAGACCATCAACAT
AAAAATCAGCACTTTGCTGTAAACAAAGCGTTTTCTGGAACGATAGAAACCTTGTTG
CACTAGCTACAACTACAAAATTATGCAGATTAAAAACACCAAGTCTCCGTATTTTAATTCA
ATCAATTTATGCATTCTAATGTAGTAAATGTTTAAATGTTCAAAATGTTTGCCCTCTAA
AAATATTTTATGCGGTATACTTTGAAAACGCGCTTAGCCCATCTTTGATGTGCTTCCCTT
ACCGGTCCAGCTTCGGTCACACTGTTTACCTATCTGTTAAAAAAAACAGAACGCTCCGGC
GTTGCGAAAATTATTAATAATTCATCCCCACAGGAATATGGTTCGCGGAGCTCTCCGAGG
>EP78644 (+) Dm CG5028; range -499 to 100.

AACTAACTTTTCATTTAATTTTCATCTACTTACAACAAGTGCATGGAAAAATTTTAATTT

ATTGACCGGCTCTTGCATTTTATTGATTGCCACGACCCCGCGGCCGATTCCAGACCCAATTCCGCTGCCATGTCTAGAAATGATGTTGGGGCATCCACTTTAAGTCATCCCGTCGGAGTATAACTAAAGTTGTTTTAGTAAACAAAAACATAAAATGTGGTTGTTAACGTAACAGTCAGCTGCTTTTTGCTGATCTGGCAGGTCTGCAGATAACAGCTGCTTGGTGTAGAGTTGCCAAGATGCTGAAACCATAACAAATAAATATATTCTATGTAAGATATATATTATTTGGTCAAAAGTGTTACTTAAAAAAGGATGGTATTGAAATGTTAGCTTTTTTACAAAAACACATAATTATAATACATTTTTTTTACACCAAAGTAATTATTTTAAACCAATACCATTTACTTGACAACCCTGAAAAGCCGTGGTTCTGGGCAAGAGCCAGCAGCACCCTTTGGCCAAGTGAATAAAATGGCTGTGATTTAACTGATAGTAGAATACCAACTGCAGCGGTAGAAAAACAATAATCCAAG

>EP78645 (+) Dm CG1839; range -499 to 100.

GTATTCGCGCTACTGAATATTGTTGATTATTATAATGTCTAAAAACAAAAATTTAAATCAGCTGCTTACAAGCTAAAATATAGGCATTGTTAATATTTATCCTGCATATATACATACCTTCCTTTGTTCTTATAGCAATTTGCTTGGTGTGTTTTGGTATTTTCGAAAATATACTTCTGTATTCACGGTCTATTTTTCGATAGATTTTCTCGTTATCGATAGCAGTATTGTTTTGTCATTTAAACCAAGCAAGCAAAAGTTTTTTGTTTTGTTTTGGCACAGAAATTTGCTGATAAACCAGCAATCCTCGAGAGAATTGCCACCAAGCGCGACACACAGCACAAGCAGCAGAGGTCAGAGGTGGCGGACAGCAAGCAAGCAAGGCGAGGCGCAATAAAGCTGCAACCAAAGAGGACTCCGCAAGTGGCCATTAATTGGATTAGTTGCGCAGAAGAAGTAGGAGACATCGCTAGCCAGAGCCATTAAGGTCTGGCCAGCAACGTGACCATAGCTAGGCGATCCACGTGCGAGCGCAGCCAAGCTCAATATCCGGATCATCTCGAGGAGCACAATTTGCCCGG

>EP78646 (+) Dm CG9172; range -499 to 100.

GAATCAAAAAGAGAACAGCTACCCTAATCCAACAGTAATATTTTAAAGGGGGAAAAATCAAGCGAGCAAGCATAATCTACAATTCAACTGAAATATAAATTAGCGAGTTAAATCAACATGTGGTTTTTTTTATCTTTAGTCTTAAGAGTGCTAATCGTATTTTGAGTCGTCGCTTACTACCATTCAATTGTTTGCATAACATTTCCAAGCCGCTGTAACAATAGAATTACACCAACATATTACAAAAATAAGCAAAACAAAAACATTAATAACTACTTTTTTACTTGCTTTTTGGTCAGCTTAAGCTATGACCTTCAAGCAAGTTGATTTTTTTAGCCAACCATTGCGTTCATGTGGAAAAGGGCATAAAGTTCATGCTGCCGCAAGTGATGTGCTTGTGTGAGAATAGGATATCTAAAGTAAATTCGTATTTTATAGTATATTTTCTGCTGCTTTGGTATTTTAGTTAGTAGTTCGGCGGGGTCACATCATACGCATCCCTATAAATCGAAATAAGTTGAAGTTACATAAATAGGTATTAATGTTTAAATGCCAGTCTAGTATAACTACAGATTTACTTTAGCAGGA

>EP78647 (+) Dm CG15119; range -499 to 100.

GTTACGCAAAAAGCTCCGCTTTGTTTTAATTTAGTTATTTATTTTATTTTTCGCAGTAAACCTTAATTAATGTATTTTTTACCGTCTCTTTTCGCGATCACAAACAGCAGTGTGACCAATAAAGGTGGTTGAAAAGCCGAAAGTTTTGGTTAAAATTACCAATCGAGAAATACCAAATTTTTAAGACTTTTCATTTCTTGTTTTTTTTTTTTTTAATCTACAAAAGTATTAATTAAACAATCAAAGTCTATTAATATTTTTGAATAGTCAAATATTAATGTGTATTAAGTTTTTGTTTTAAAAATATATATGTTATCTTTTTTCTTTTCATTTAAGCTACAAATAATTCAAAGAATTATTTCTCAAGCTAGCGTTAGGCGCCAAGACCGTTTGTCTTTAATTTATGGTATTTTTTGAAATACCACTGACTTATGTAGTGTGCGTGGCGAAGTGGTGTTCAGTGTGTGAAGCGCCGTAAGTCCGTTTGATTCCGATTCGGCATTGAAATGTTTTCCCTTAATTTTCGTGTCGAATACAAGATTTCTGGAAATGAAGACTGTGCCGAAAAAGAAGGAAACGGCCCT

>EP78648 (+) Dm CG5958; range -499 to 100.

TTTTTTTTCTGTGCTAATTGATATTTATGCTTTTTTTGTACAAATTTGTCTTTTTTATTAATCGTGCCCCAGACGCTGAGTTTGCAAAGTGGAGTGTAGCAAGGGTAAGTTTCGAGGTAAAGGTAATTTAACTAAGGTTTCATGACGCCGGGCGCGTGTAAACATCACGATCAATGACGAAATACCCAAAATTTTAAACGGAGTCGAAAGTCGGATTTTCAGGCCTAGAGGGTTCAATGCAGATGCCGAGGGTTAAAGGCGTTAGGTGATTGACAGCCGGATTGGTGACCTTTTTTTCTGATTATTGTTGTTATTATATGATTTTCGCTCAGCGCCATTTGTCTAAAAGATAAGGAACGAAAATGGAAGTCGAGGCCAAGACGACTGCGATCGCCTCTGCCACGGCGTGTCTTATCATCGACGTCGACGTGCAAGCTGTCTGCTCGGCTGATATATAATATAGAAGTTAACTCACAAGGGTTTCAAAGGCGAACCGAATTTCAAGTTGACTCGAATCGACGAGTCGCGAGGAAGCAAACTAAAGAAGCTGAAAAACCTCAATAAGTGAATCGTTTGACTTCGCCTTAGGTAAATACAA

>EP78649 (+) Dm BEST GH25183; range -499 to 100.

CTAGGAGAAGGGTCAATCTGCGCGGGCGGAACGAAGCTCTTTACGCGCCCAGCTCGCATTGTGCGGGCGTTGCACGCGGATTGGATGATCGGCTTGGAAAGCGCTACAATTAATCAATTAAACAACAATTTGCCACAATGCACTGGAAAATGTTGGGAAAGCTTACTGTCTGATTTTACAGAAATGGTTTCAATAATTATGATTAGCACTCCAAGTGAACATATGAATTTATGATATATAATGTAGGTTTATAAGCTTTATACTTTGCAAATCAACACAAAGAAAAGTATCTTCATTTCTTTCTTAAAAATAAGCACACATTTTATTTGCAATCTTTATATTTTAAAAACAATTTTTTTTTTTTGTGTGGAGACCCGACTGGTTGTTTTCAAATTCAGCTTTGTTTTTGAGCGAAGAGTGCCTGGGCGGTTCTTAGGGGTATTTCAAGTCTCTGAGTGCATCAGCGGACTGACTAAACGTTTCTCTGTTAGTTGATTGGGAGATTTTCTGGAACAGACCGCATTCAAGTGGCTTTATCGGTAGAAACAGCAGCACTTTCCGAGATGTCTATCAATCCTTGACATAC

>EP78650 (+) Dm ALPHA-EST2; range -499 to 100.

TATATATAAAATATCAAATAAATAGGTTGTTTAAATTATTAGCTACTCCATTGAAAATCT
CACTAGTTTTTTAATAATTTTTTTTTTAAATTTACTTTTACAAATAATTCAAATATATA
TTTCAAATGCATGTATTATTAGCTTACAATGTACAATTTCTTTATAATTAATGCGCACT
ATCTTTTACAGTGGAGGACCAGTTATACTTTACAAATTAAAAATATGTTAAATTATTT
TATTAACTTTTATATATTTTATATATATATAATATATATATATATATATATTTTATGC
ATGTAATTATTATTATTCGCTGCCAATAAGATATGTCTATCATTGGAAGTATGTATGTTG
TCAGGCAGTTACCTATTTTGTGACCTATGGTGTGCTTGATAATGATCATCCGGCAAAAT
ACTTTTGAGTATTAATAATGTAATCAAATGCTGTCGGCGTCTCTCTGATTTAAGGTGCTA
TCACCGAATTTCTCGATTAGTCGCACGGCATTATTCGCTCGGACCAGAAATACAGCGAA
GCCCTCGAAACAAAATATTAGTAGATCCCGAATATAATCCTAGCAAATAGAAAAGAACCA
>EP78651 (+) Dm CG32713; range -499 to 100.

AATCAGCTTAAAGTTTCGACTTCCTTTACAATAAATTGGTGAGTATGAACCAATTTAAA
TTTAAATAGAAACAAAATGATATTTTGCTAAACTATATTAATTAACCAACTCTGGCAAGGA
GTACTTATCGACGTGTTATCGATAAGTGTGGAACGCATTCAAATGCGCGCTAGCATTGGA
ATTGAAATTTTAAATGCGATTAGCTAGCACTTGAAAATGAAATTTATTACGATTTTGCAAA
CATTAAGATATATTTTTTAAACATCTGGAAGTTTCGCAAGTGCCTGACTAACCCGCTG
AACATAATTTATGAAAATGAAATGATGCCAAAGAGCGACAACCTTTAGCGTCGTGAATCAT
TTCAAAACACTTTTTTTTCTCAACTACCAATAGAATTACTGTTGTCGTGGTGCCTTATC
GTAAAGCTGTAGGTATATATGAATAGGGTATAAAGCTCGGCAAAACTCAAATCACTCATT
GAACCTTTTCTACTCCCTTAGTTCTGGTTAGCTCCGTAACCAAGTCGCAACATTCGATCG
TCGTGAAATTAGTTACATCAGTTATCAGCCATGAAGTTTACCTGTTGGTGATTGCAGCC
>EP78652 (+) Dm WNT-5; range -499 to 100.

TGTTATCCTTTTTCCACAAGTGCCTAGGTATCTATTATTCGAGGTGGATTAGTGACACA
AACTAACTAATTTTGGATGTGCCAGTTTGGTTGGATCTCGGTACCAAGTCGCGGATGG
ACCAGACTAAATTGTACCGTAGGTACGTGTGAAGCTGCTTCCTGGAATACTGTACTCTCC
AGCTTGACCTAGTAGACAGAAATCAAAGAAAAGTGGGCGTGAAAAGTGGTTACAATGT
ACCTTCGAATTTCCGCGCGAATGTAGGCAGGATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACAG
GACACGAGTTCGTGATGGAATCGGTGCTGCTGTGCCTCGCGTTGCGTCTGCAACA
TGTTGCACAACATGCGGCGGGGTGAAGTGAATGTGTATGGTGGTGGTGGTGGTCTGC
TGGCTGGGCAACATTTTCATTTTCTGACTGCGTTTGTACCACGAAAGACTTAAATGCCGA
ACCGAACGAGTCTTCAGTTGTTTACAATTTGTGTTGAGGGTGGATTACTTCGTCGCGA
GTTTCGTTCTGTCATGATGCGGTTGTGGTTGATTGTATACATACATACTATGCACAAATC
>EP78653 (+) Dm CG14231; range -499 to 100.

TGAATCCTATCTCCGTACGAACGGCTAATGTGCAAGTCCGAATAATCTGTATGTGCGTG
TGCGTGAGGTTTTGGTTTTACGTGTGCGTTGCTGCAATTCGGGAAACAAGCGGCGGGAA
AAGACCATGCCGATTTAGACTAAACCAATATTATTTATTATTTAGTTGTAACCGACGAA
GACAAGTCCAAAATTCAATTTGAACTAATAAACAATATAAAGACAACGTAAATAATCA
CTTTTCGAAATCTCTTTGCTTCTTAATGAAGAATAAATTATTCGTAATTTCACTTAGGA
AACTTCTTCATACGACACAATTGCTATTACCAATTTTGGGCATTGAAACAACATTATTA
TTATTTTATATTAATAAAAAATGCAATTAAGTATAGTTAAGAATTTGGCTCGTGTAAGG
GGCCCTAACACTAACGGTCCCACGATTTGCTGGTTGTGGTTTCTATCGGTGCCTGGTCAC
ACTGGCCATTATGCATGCACTTCGTAATTTTGCCGGCAATGGAATAGCAAATGTATTTGG
CTGTGGGATCAGGCGCGGCTCAGCTATGTCCTGGGCATCGAGACCTCCTGCGACGACAC
>EP78654 (+) Dm CG3008; range -499 to 100.

TGATTGCTTTTTCGGTCTCTCGTTTTGTTTCCATCTTTCTTACCAGCGCACTGAATATTT
ACTGCACCTTGTGTTGCTGGCGGCCGTTTCGATTTTGTGTTATTTGGAGCGGGGGTCACG
AAAATGCTGGGGCGGCCAATCAGTTTAAATAACATTTTCTCTTTGTACAACAAATAAACG
TATATTAACAAAAAAATTTTCACTTTTATTATTATTTTGGCGAAAAATGTACAACATA
CAACAAAAAGTATCGATTACGATGCAAACTACGATGGCAACGTCGCTCTAGAATGA
CGATGTGGCAACGCCCTTGCTAACGATATATTTTTCTGCCTTTTCTAAAATATGACAAA
TAAACGTTTTCTAAGTATGCAATTAAGTATAATAACTTTAACTTAACGTTATAAA
AATTGTAAGCAAAGCTTTTCGATATTAGGAGTTCTTCTATTTCCAAATTTATCGGGTCTAT
CGTTCTGCGATAGCTCGATACTTTTATAAGCTGATAATTTCAACAATTTGAAAAAGGA
TTGTTTGGAGAAATACAATAGAAATATTATTGCAACAAGGGTTGCAATTGGCTTCCCTT
>EP78655 (+) Dm CG5879; range -499 to 100.

GTGGACCCAGGCGAGGATGATTTTACCCTGCGGAGAAACGAAAGAGGAAGCCGGG
AAAGTGACACAACGATATATCTTTTAAACATGCTTAATTTCAAAAATGCTCTCATAGGTA
CGACGAGAAGGATCTGATCATATACAAGGACACTCCGCTGACCCTGAATTATCAGGTGCA
AGACAAGCCGAAGATTGTTATTTACTGGCTAGCGGAGCTGCGGAATCCCTGCCAGGAGCC
CATTCTCTCCGAGGAGCACACCGACCTCAAGTGGCTGCCCAAGGAGGAGGCAAGCAGTG
CGTCGGCTTTAAGGATAACCAAGTCATGATCGACAAGTTCCACCAATGATTTTAGATCA
AAACAAACCAATGTGAACGAAAAACAATTGCCGGTCTAATGTTGGGCAACACAGAAATTA
AAATAAAAAAAGCACAGAAAAATACCGTATCAAAAAAAATACCAGAATTATGTCAGGCCAG
TATGCCAACGTTGTGCACACTGTTTTAAGGCATCTGTGAAAATGCTCGAGAAATTAAT
TCGCTCTCATTGATTTGTTGTGGCAGCCAAGTTAAGCCCTTCGACTAGCTCGAAATCTTA

>EP78656 (+) Dm SALA; range -499 to 100.

TACCTGGAAAAAATAAATACGAAATCATTGATATTTAGACAACAGTAGAAAAATGTTTCAA
AAAAGGTAAAGTCACTATGTTATATCTTGTATCTGAGTAATGTCTTATTAATGATTTTAT
ATTATCCGGATTTTCTGATCAAAAAATCGAGTAATGTTATGTTGATAAAAACTTTTCA
AATATCAAATAAATAAATAAATAAACAATAATTTAAAACTCCTTTATATTTCCGTC
ATTTCAATATGGTACTGAATTAGTATTAGTATTCTATTCAATTCGGATTTTCTGTTTT
TCCATTTTCCCTCTTCCAATAAACTGGTTATTTTATTTTCCATCGTAACCAGATGTTGA
CGGCAATACTTTTCTGTGATTTCTTTTACAGGTAGAGACTCAAACCTAAGTCCCTCAGC
CAGGTAGAATACCTTTAGCTACCTACTTGATATTACCAAAATCGTGGTATAAAAAATCAAA
AAAATATTAGAGCCGCTCAGTACCGAACTTCAGCCACGATGAACTACTGGTGCGTCT
TCTACTATAGAAATCTTAACCTAGAAATATTTTATAATAACAAATTTATAACTAT

>EP78657 (+) Dm CG9306; range -499 to 100.

GCAGCCAGAGGACTAACGACATTTTATATTTATATCTTAAGAGTATTTGTTAACAGTTAT
AATTTATTAAAGCATTTTCGCTAGATGTATTTACAAAATTACTTTCTTGTTCCTCGCAAAT
TCAAAGGGAATTGCAAAAAATGCAAAAAATGGGACTGACTTTCTTGGTTTCTTAACTATT
CCTAAAAAAATTTGTAATTAATATAACAATTATAACAGATTTGTCAAATAGTCTTATTTT
ATAAATAAAATAGGGTAGCAAGAAGGCTTTTAAAGCATTAAAAAGTGTGTTGTTATAGGTAT
CTACTCTAGACAGGATCATTTTCGATTTCTTGCAATAACAAAAGCTTGATAAAATGCAAA
GATAGCCATTGCTTTTGTATAGAAAATTTAAATCAAATATATAAATATTTTGTGAATTC
CATTCAATTCAGAGTTGCCGTTCTCTAAAATATTTTTCGCTTCGCAACACATATTTTCA
GGCGCAGGGCTTTAGAGCACTGGACTTTTGACAGCTGTTGTTGTTGTTGCCTCGGCTGCG
GTAGCAAATTAATACAATTTAACCAATATAGTAAAAACGATGGCCCAAGTTCCTTGGC
>EP78658 (+) Dm BG DS05899; range -499 to 100.

GTTATGTTATTTTTCAGCATTATCAACGTCTTTATGCGGGCAACTTATAAAGCGGGTTTTA
TGATAATAACTGAAAAGCTACACTCTTAGATAGTGCAGTGTGATAAAGAGGGGGGAGGTT
CAAAGTCAGAAAAGATCAGAGATCCGGTGGTGACCTTTGGCAGCGGCTCAGATATGCTGCA
ACCCTCCGAGATCACAGCACTGAACGAAATTTGTGACAAGTTTAATATGTTGTAAAATTAA
ATGTATTTAACCTTTTGATAAGCTTATCAAGATTTTAATAAGTCCAATGCCTTATTAATT
ATTTGAATATCAGCAAGATTCGGCTTAGCGCAACATCTCGATGAGATTTGTTTTCAGTGTA
GAAAGCGATTGTATCTAGCTGCGGATGTTGTTGTGTCCTATCTGGTGGCTGCCTGCATT
CTCTGCCGATCCTCCCCGAGTCCACTGCCGTGCGTGGCCAGCTTAGCTGTCGTCCGCACT
TCTTGTCTGGGAAAATTCAGTTGTGTACCGACTGCAGTTGCGAACGGACAAGTCAAAC
GGAAAATGAAATTCATCTGGGCCCTGATTTTGGTGCTCGGTTCCATTGCAGCGAACGCTG
>EP78659 (+) Dm CG9324; range -499 to 100.

CGGATGTGCGTTGCTGGCCAGCGAGGGTGTAATTAATCACAACTCAAGTTCGTCACTT
GACCGAAGTGTTAAGTGCGCTAATAACGCCAATTTGCATAGACCGACTTTTACCCATCAA
CACGATTACAATTAAAGTGATTTTCAAATAGTGCTGCGTTGTTGCTATATATAGAAAT
ATTTTGTTTAAATAATCAAATTTGGATTGGAAAATTTGGAGTTTATAATTTCAAATCGAAA
TTCACTTGTGCGACATGCCGATTTTGTACCCTGCAATGGTTTGAAACCGAGCTAAAAT
TTATGTGGGTCAAATGGATTGAATCCATGTTAGCATTGTCTGGAGCTGCCATCCTGATT
TCTACACATGTAAGAGTTGCCAGTCTGGTTTCTACACTACTGGATTCTATTCTAGTCGA
TAAGTTGCTTTCTATTGATTTATCTTGCAATTATCGTCGATATCGAGTAGGCATCGACA
CAAGTACCAGCTCTAATTCGCACGGAATTTGTTTGTCAATTAAGAAACAATTATAATTTCG
CCGATTTTTATTCTAAAAGCGCTTACGAATATGGTAAGTACCTCGCCGAGTGCAATTAG
>EP78660 (+) Dm CG12191; range -499 to 100.

TAGCACAGCACATTTATGGAAAGTATGTTATACTCGCTTGCTTTACCATAATTTTACTT
CTATAAAAAATTTAGAAACGAAGAAGCAACTGCTTTATGGAAATTTGTTCCATACGTTGCG
AGTTCCAAATAGAGGTCAATCCAATATACCATATACATCCTTATTAATCAATCTATTAT
GATATAGATACATTTTTATCCCAATAATAGTCAAAAAATAATTTATGTCTGATTTTG
ATACCTGATAAATGGTTATATACCTTATCAATTGACTGCCTTGAAGTCTTATTCCGAAAC
GAATTCCCCCACATAAGCACCCCTCGTTAACTCCGAAAGGTGAGTCCTTTTAAAAGGACT
CCTAGAGACACCATAGAGGGGAAAAACTTAACGAAACAAGGACATGCGCAGATGGGAAAA
GAGAGAGATCATCCTGTGGTGAAGCCGAGCACAGGACGAGCAGGACATTAACAACAATTG
GGACCCAGTTCTTAAAGCAGTCATTGGCGAAGCCTTCAACCGCGTAGACGTTCTTCGCAA
AGAACCGGATGGACGAGTGATCCGTAATCCGATTTTCGACCAAGTCGGTGCTGCTATTT
>EP78661 (+) Dm CG10472; range -499 to 100.

TTGCTATCGCCGCAATACAAGTGTTACAGATAAGCTCTAGCAAAGATAATACAATTACA
TTATCAAAAGAAATATAACATTTCAAAGGTGATTTGCTTTGTTCTAGTAAAAATATTCTATT
TAAGAAATATTATTATAAGTCTTAGGTCAACATAATACTAGTTTCAGAAAACTTTAAT
ATACCATCGTTAAATGGTTAATTACCTTTGGTTTGTCTCACTGCAATAGATAAGCCTAC
TACGAAGTGAATCTGCTCATGATTGGGTTTTATTGCCAATATAGGCCAAATCGATTTC
ACACTTCTTGGTTTGTCTGCCCTGCTTATCACTTGGAATATCGGTAGCATCGGCTCTATC
AGTAGTGGCAAATAGACGATTATAAATCACCTCGGTTAACTACAGCCGGGTAAATTCACC
AAAGATTATCAATGAATTACGATACCCACGCTCCTTTAAAATCCGTATAAAAGTGCCCG
AGTTCTTGGCCAACACTTTAGTTGTGATCAAAATGAAATTCGCCTGCGCTACGGTTCTGC

TCTTGCCACCATTCCTTGGGGCCAGGCTGTGGACTGGAATTCGGTCAAGAACCTGAACA
>EP78662 (+) Dm CG7275; range -499 to 100.

GCTGGCAAACAAGACCTATAATCAATCGGAAGCCCTTAAATGGACCCGGAAGTCGCCGA
TGACATAAACATTAAGATGAAGGGACGCGGCTCTTCTCCAAGATTCAAGCACGTTGTGAA
CGTAATGCTTTACCAGCAGACCGGAGCCGGATGTTTCTACGGAGCTCGCGCCATTTGGGA
TGAGCTGTCCGATGACTACATAACCTTCACCTTTGATGGTGGCAGTTTTATCTGCATTGC
TGCCGTTTTTGGTTGCTATCAGTACTAGGTTGATGTACAATTAATCAAATATAAGAAATT
TTTTAGTATTATGCATTTGCATAAAATGAACGTGAACGTGTGTTGCATTTGATTGATCATA
CAACACTCAGAAAGATTCCCTCCAAAATTTCAAATTTCAAGTGTACCTATTGGTTTTGC
ATTAGTGTTACCACACCCACTACTCAACACAATCAGCTGACAGCCGCTCTGTATGGCAAC
ACTGTAGCACGCACATGTTGTTTATGTTTCAAACCTCACGATTAATTTTATTTTACGCCGC
AGAAAAGCTTAATAAATGCAATCAGGATGAAGGTGAAAATGATTAGTCGCAATCCGGATA
>EP78663 (+) Dm COMM; range -499 to 100.

ATTCCTCGTTTGATTTGGCGCAAACCTTCGCGCTCAGGCTTATCAAATGCCTCAGAACCCC
TTTTTGCTTTTCATTAAATCAGCACAGACTGAACTTTGCCACAAAGCAATTTGCTGGA
AAAACACAAGACCGAAAAGCGTTGGAAAACTTTAAACAACGAACGTGACCGAGGTGAAG
TTTTCCCTTCTTAACAGCGTTTTTTTCTCTGTTTTCTGACGGAAAATATAGTTTTTGGT
CAAACATAGGTACAGCTGGAGAGCAAAAAATAAGGCAGGGAGAAGGCGAAAAGGACGTCAAAC
ATTTAAAAACATAAAAGACATGCCAGAAATTGCATGCTTCTTTAAGCAAGGACTTGACTT
GATTTCTTGAGTGCCTCGCCACGACTCACTCAAGAGCGAGTGAATCGAGAAAATGAGTG
AGTGGAATGGCAAATTTCCCGCATGGCATGGCATTCTCAGCGACCCGATGTAGGTATTAT
GCTCTGCCAGCTAGCAGTCAGTCAACTTATAGCCGCTCCAGCGAACGGACGCACCGAAAA
TCGAGCTATAGAACTCTACGGCAAATAAAAAACCCGAAATCGAACCCATGACTTATATA
>EP78664 (+) Dm SAK; range -499 to 100.

CATTGTTTCGGTAGTAAAACCATAAGAATAATTTTGCCATGATTCTCTGCATTTGCAACG
GATGGCAATATTCTCGGCGATTAAATCACCAGGGCTGCATTAAGTGTAGTGCAGTGGGAA
CACGCTATGATCGAAGAGTGCATTTAAGTATGCTGTTGGTGAATATTGAGCCCTAAGCA
AGTTTTTTTTTCAAATGTATCACCTATTTAGTTCAAATAAAGAGACAATATTTTTTAT
ATAAATATCTCATAAATATACTTTATTAGCTCTGGCAACACTGGGGAGTGTGGCAATGA
TTGTTTTTGAAGCCATTATTGATAGTTGACTTTTACTTATCAACTCGTATATAAAAAATA
ATTTTTAATGATTAATATCATAATTTTGTGAAATATTCTTTAAACAAGAAATAAATTGTA
TTGGAGTAACAAATTCGCAATATATTGGTGATAGTGCAGCCCTCATTAGTGTGGCTAA
TGATCTTCACTAATGTGGCATTAAATTTCCCAACACTAACGGTGGCGTTTAAATTTTGT
TCGGCTTGTTGTTTATATGGCTTTAGTTTTTTGATAAATAACAACAAGACATTCGAAGT
>EP78665 (+) Dm CG6234; range -499 to 100.

AGAGGTAAAGAACGCCAGCGGTGCAATTGGATGCCAACCCTCTCACAATGAGGGGCTCG
ATGACGATGACGCTGTGGATGTGAAGTGTGCTGCTAGCCATAGCCGGGCCAAAAAGTTG
GTTTCAGTTTGCTTTGCTTGGCTTGGGGCCGGCGCTAGGCACTTGCACTTATCAAACCA
ACATAAGTGGATATATATGTGTGTGTGTGTTTGGGGAGGCGCAGTTGGAGTTTATA
GGGCCGGGCAGCCCACTTACTTGACGAGCAGAGAAGCAGAAGCCGCCTGCCTGCCAGGCC
TATTATTACCCGAGAGCAAATAAAGGCATATGATGGATCTGCCGGCGCGGTAGGGGCAA
GTAGGGTAGGTAGCTGGGACCGACGTGCTCATCAATATACGAGCGCAGCACATGCATTGC
CTGCCGACGAGCAGCAGCAACTACAGCAACGACGGCAGCAGCAACACAAAATTCCAGAG
CGCACGCGTTCTCAACTTTAGTTCTTTGCGAGTGGCCAACGCGTTCGGTCTGTTGCGTG
GTAGTCGGATGAGTAGTGAATAAACCCCGTGAAAACCGGAGTCAAATCGAAGTTATAGCA
>EP78666 (+) Dm CG8630; range -499 to 100.

TTCGTACGTGAGCAGAGCCACTAACAGATTCAATTTCCAGGGGACTTACCCCTAATACAT
ATCATTTCAATTTCAATGGAAAGTGCAAGTGAGCTCGATATTCTATGCTATTCGCTATAAG
ACCAAGTTCCCCCAACAGCCAGCGCGCAATATTATGAGACGCATACAAGCAAAAGATAT
AGCATATGCGACCCCGGCCGCTATATCCGAGATCCGATTTGCTCCAATACGATACGATC
GCATACGATACTATACGATCCGATCCGAAACGATCGTCTTAAGAACCAGAGCGTCGGCAG
AAGCGTCGAAGTCGAGAGAGACGGCTTTAAATTTGCGTGTGTTAACTTTTGGAGCAC
TGTATCCATCCGCCAGCTCTCTCGGCCGATCAGCGTCTCAAAGTCTCAATCGCGCTCTA
ACGATCGATCGCGGTGCGGTGTGCGAATTTCTTGAAGTGGCGTTTAAAAAGCACTGCCA
GTTGCTACGATCCCTCATACGCCGTGATTATCGCGCCTCGTGGACGTGCCGTCTGTAG
TGGCTATAAAAAGCGGAGAATCCAAACAGAAAGATATCATATATCGAGGAATCGTCCTTA
>EP78668 (+) Dm EG 30B8; range -499 to 100.

ATGAGGTTTTATTACCCCAAAGCCAGGTGGCTTTCAATGTTCTTCTATGATTACAAAA
AACAAACGCTTCTTAGAAAAATTGCCCATCCCGCGAATTATCAATTAAGTGAAAATTGT
GTCACTACTTGCGATGGCATTGGGATGCGGCACACGACCAGGTGATTAGGCAGATCCAGA
AGCTGGAACGGAACATATTAGGCATATTAAGCGTCGTCCAAACGATGGCCGAAAAGCC
ATTAAAAAATTACGTGGCTTTAATTGCCAACGCAGTAGCATTGAATATTCAAAAACATAA
TCGATGAGCGAAATCGATGCGCAACTGTCAAGTCAGTCGGCTGCCAGGCGTCAAGCCCAA
GGTTTAAAAAGTGATTGAAAGCGTTTTTGAAGTGATTGAAAGCGATTGCTGCGTCCGA
TAGCCGATAGCAGACCAACCTGGCGGAGGGAACAGCGACGGAGCAATCGATACCCAGGCC

ACAGCACCAATGAGCCGCATAGGTGTGAGAGAGACTGGGGCGAGCGGTACGTCCGAGCAG
CTGCAGCGGGAACAGGATAGCGACACATCGGAACAGGCGGTGCGGAAGCAGGAACGGGAT
>EP78669 (+) Dm CG5966; range -499 to 100.

ATCTACACTGAGCGAAACGCTCGACTTGTGCACTATCAGCTGCTCAGGGCCTCTTGCTTT
CCTCTCTCTCTTTCACACTCTCTGCTGTAAGTCGCGTGCCGAAGCTCATTGGTCAGTGTT
GGCTGTCTAGCGAAAATACGACATAACTTCCATAGAAATAATATCTGTAAAAGGAGCGTA
GTTATCAACATTTAATGGTATATATAGTGATACTTGAACGGGTTATAGATTTAAAGTATG
TTTTTTTTCTGAATAGCCTTCATGGTAATTTCCACGAGATATTCGGCTTCCACCAACTGT
TTATTACACTTGACCTTTGAAGTGGTAGACGTATTGTACGCATATGTATATGTCGGGAAA
TCGGCGGATCGGTGAGCACTATCTTCGATCGGCGGCTTCGGCTGCAGCTTCGGATGCAGC
TTTCTGATTTTCGGTTACGGTTTCGATTTCTCGCGACGTCTACGTCTTTATAAAAATTGCG
TGGGGCGCAGCTGATCCGCTCAGTGGTGCACGGTTTCCAAGCGACTCAGATCGGCGGAG
ATATACACGACATATAGCCCAGTCATTGGCGATAGTCAAATCGAAAGAAACCGAGGGCC
>EP78670 (+) Dm DX; range -499 to 100.

TAAAAATAATATATCTAACATTCCATCCTATCTAGGACATACACCACAAATGTGATCGTT
ACAGCAAAGACATGCTCAAATTATGAATTTCTTAAAAGTGACCGATTTGTATTACCGAAA
ATCTTGAAAAGAAATACTAAATAGAAAGAACTTTGGAAGCAGCCAGTGTGGAGGTCGC
GTTGCTTAAGAAAAGTAGCTTAACTTGCCAAAGTAAATAAAAAATTGAAATTAATAT
CAAGTAAATCATTGCAAGTTCTTATTTTTTTCATTTCAATATAGAATTCAATTACACAT
ATATTAATTGATTAATTAACAAGCTAAAAATAGTATCTGTTTATATTCAAGTGCAAGAAA
AGAAAATAAAAAATATTAAACATTTAGCTAGATCTAGCTAGCAACCAGTTATGCCAACCC
TGAAACTACCGAATCCAACCTGGTGGCTGCAGATGCAGTGCGGTATTTTCATCCGGCCTTA
TTTAGCCATTTTCCGCTGTTGCTCTCATTAAATCGCTGTCCAACAATAAAAAATTTCTCG
CCTGCGCTTGCCTAAATGCTAGAAAACTGTTTTTACCATCAAACGTGAATTCTTAAGC
>EP78671 (+) Dm CG15835; range -499 to 100.

CCATAGCATTCTCTCTTGTATGGGTTAGTTTCATACTGTAAATATGTATTGCAATAGC
TAATTATGTTTTGTATCCATTCATTATAAAATAGAATTA AAAACATGTGGTTCCAAATTGG
TAGGGATAAGAACGATTTGTTGGCAATGTGTAGCCGAATTGGTAAAAAAAATATGCTGTT
CCTCCAAGCGATCTAATTTTCATTTTATAAATTTTAAAGTAATACAAAGGCCATCCAATT
CCATACTAAATAATTAATATATGATATTTTATATTATGTATCTTGATTATTA AAAAAT
ACTTATTACTTATTTATTTAATTTTCATTTAATTTCCATTTATATACCTTGTATATAT
ACCTTATACCTTACCAGTACTGCAATAAATACTTAAATCTTTTTAAAAATTTCTTTAAA
AATGTTGTCTTCAAATAATTATTGTAACGGA AAAACGATAATTTCTTTGTATATTATAC
TTCTTGTATCTGGTCACACTAGGCAAAGGAGATTGTTTCGCTTGCTTAATTTTTTTGC
TGCTCCTTCAATATGTCCACGAGATCTTCATTCGCCGATGAAGAGCAGAACAAAGTGCCC
>EP78672 (+) Dm IM4; range -499 to 100.

TCCGCAATGACTAAGAAGTCGATTCCAAATGCGTACTATTA AAAAAGCCGTATGTATGGG
GCAAAACGACATCTAATACAATCTGCCTCTTTTAAATTGTTGCAGATTTAAAAGCGATAA
TTTCCGAGTAAAAACCATTATCGACCTTTTCCAGGAGAACTCCACATAAAGGGTATGGT
AAACACATCAAACCTGGATTGCATACTGCGCTATTCGCGCCAGTTCCAGTTATTCTAATA
GTCGATAGTCGAGTGCCAATAGTTAGTAGTCAGTAGCCGGCATTAAATTGAATTGCGTAGA
AAACCCAGACAGGTTCTCGCTTCACGTGAATTGCACTAAATCGCATGAACAACAGACAAA
CAAACGAATCTCACTGATTGACGAGCGAAGAGATAAAGCCGATCTTTTAACCTGTGTAAT
CCCCCAGGTTGTCTTGAATCGCCAGATCTCGGCTCGATCGATTCACTATAAAAAGAGCT
CCGGCACCTTAGTGGGGCATCAGTAACTCAGCATCAGTACTACCAAGCCAACCAACAACC
ACCAAACCTCAGAAATCAACATGAAGTTCTTCAAAGCCGCCCTTCTCTTGCCATGT
>EP78673 (+) Dm CG5360; range -499 to 100.

GTGGTTGTTGCTGCTGTTGTTGTTGTTGCTTGCAAGCCAGTGGTTGGGAAGCGCGTAAT
TGGCCCTTTGGCGGCTGCTGCTGCTGATTCTTGGGCACAAGTGAATTTATCGGAGTCG
GTGGGGGTTTTCAAAGCGGCGCTGCGATTAAAAGCGCGCAGTCAGCAGTAAAGATAAAA
GATTTAATAAATTTGAAGGCTTGTGTTATTGTGTTATGTTATGCGCGAACAGCTGTTTA
CCAGGGCTGACACGAGGTGCGATAGTTGCTGCTGGCAGCGATAGCTGGTCTTGCAAGTA
GAATTTGCAAGGAAATAACTTTGTTTCACAAGTAAATATATTGTA AAAAATATATTTA
TGTGTTAGTTTGATTGGTTAGCAAGGATTTCAATCAGGAATATGACTACTAGAAAAATCA
CGACCCCGATTACCGCTTGGAAAGATGCCACCCGATAGCAAACTATCGCCCATCACTAAT
TGCATTTCCAGACGCGTTAGTACCACCGCAAAAAGCAGGCAGATGTTTCATACAGGCGAT
TTTAACAACAGTGTTTTATAGATAAATTAACAAATTAAGGTATTTTAAGGAGCTAGACA
>EP78674 (+) Dm CG18317; range -499 to 100.

AATATTCTTATCGAATATACACGGTGTTCAATAGAGATCTTAATCAGATGGAATAGTACA
CCAAATATTAACATATTCAGATTTGTTAGTTGATGTGAAATAAAAAGTATAAAAAGTTAC
TGAATTTCTTTCTTCGATCACTTGTGGCGTTGCCAGATAATCAAGTAACTCAAGTAAGG
GCAACTAAAGTAAAGGCAACTATCTTAAACATTTTCTGGATTTGGATTAAGATTGAATG
GATCTGAATTATTCATTATCTCTGAAGTGAATGAAGTTATTAACCTTTGAATACGAT
CTTTTTCTATCTTTATCTTTGCTTTCCACCAATTAGTCGAGTATTTCAATAAGCTTTT
CAACTTTCTGTGAATAAAATTGAATTTCTAGGGTGGACCAAAATGGCGCTCAAAGTTTCG

CACAGAACCCTGAATTCCCCAGTTTGTGGTATTTTTAGGTCGTTTCTTGGCGCCTCG
CAGCGGCGGTATGCTTCCACAGTCGAGTCGGTCACTCTCACGGACGTGTTTTTTACA
TCGGATCGAAAAATAATTAATGCAAAGCTAAATCACAAACGCTAGGGATCGGCGAGCTCG
>EP78675 (+) Dm CG8993; range -499 to 100.

GCGAAATTCGCTGGACAATTTCCGTAATTGACCCGAGGGTACGGGGGTTTTAAGACGATT
ATACCCGCTTTTATGTGCGCAATTAACCTTTGATGATTACGGACCGTAATGCGATTG
TAACACTTGAATTTAACCAGAAAGTTGGGATATTATTACGACAAAACAAAACAAGACTA
CTTCTCAAAAAAAGGAGAGCCAATGTGTGCACACCATGAAATTGCTGATTATTTCTCAA
CGGAGATGCCAACTAGTTCGATAGATTGAGAGAACGAAATATCGTTATTCATTTTTTAAT
CATAAATTGAAAATTAAGAAAGATTACATAGTTATGGTTAATAAATATAAGTTTTTAACT
TAAATAATATAAAAAAAAATTATCATGACCGGGAAGTAACAGTTAATGAAACAGTGTGTG
CACACATCATTAGGCAATACCAATCCATCTGGCAACCCACCACACTCATTGTTGTTGTT
CTGATTCTCTTGTCTATTATTTGCAATCAATCGCTGAACTTTTTGCCTGAGAAATTGTA
GAAAAAAGCCATGCAGCGACAGATTATTAACATTCTGGGACAGACGACGCTCGCTCGG
>EP78676 (+) Dm SINU; range -499 to 100.

ATGGCATTGTGGCTGCATCCAAAAAGCTGCAACTGAATGTTCCACTGGTTGTGCGACTGG
AGGGCAGCAATGTAAATCAGGCTCGCGAGATCCTGAAGAATTTCGGGCTGCCATTGAGA
CAGCCAGTGACTTGGATGATGCCGCCACAAGGCTGTGGCAGCCCTTAATTAGGGGAACG
ATTGAGGAGAGCATGTCTTCCAGAATGAAACGACGCTCATTAGCATTTACAACGGTTGGG
CCTTTTAAGTATAAGTTTTTATCGACAATATAACCAAAATATGTTATATTCTATATAAAA
AGCTTTTTATTTGATTTAAGAAGTACCTTAGCCATCTATCAAAAATTAATTAATTTAAA
ATCATTTATTTCTTAATTTAAAAATGTATAATCTAAATTGTTTAATTTACTGTTTTGAA
ATTTATTGGTACCGTAGCATTGGTATTTATTTGTGGCCCATGGTATTCTGCGGTATT
ACCAGTGCAGCCACACTGCAGTCCACACCCAAACAGCAAACCAAACAAACATTTCCCCAG
GAAACCAGCGAAATTCCAATAGAATTTCCCACTCAAAGGATGCAAAAACCATCCCACTTC
>EP78677 (+) Dm MRPL21; range -499 to 100.

GCGAGTCACGTCGCGAACCTCGATTTTCTCGGTCTCGGCCATTTTGTGCTTTTGATTCTG
TCTACTGTATCACTGGTCGGGAGTTGTACTCTTGTGCGATCTTTTCAGTGGCTTACTAGT
TGTTTACTGGGCTTAAATAAGTTGCTAAGCATAAAATTCGTATATGAAATTACCGGCCCTG
CTTGGAGTAGTGTGAAAGTTCGATGATTACACAGCACTGTTATGCGCAGCACATGCTGT
CAGTGATGGCAGCGTGGGAGAACATTCGCTAGCGGCAGCTAGGTTTTACAAGTACACAAG
CCGCTAAATATAATACGATTAAATTAATGTAAAGGAAACCATTTTCCGAAATATCTGCA
AGTGTGCGGTAACTTATTGTTATTTATTTAGTGTGCTTCAAGCTTTAGTCTACTAGCTAT
TACAAGCTATTTCTGAAAATGTAAACAGGGATGTTAACGTGCGCATGCTAACACAGCTGTT
CGAAAACGCGTTAGTGTTATTCACATTTTGCTTATCTGCCGACATTAAACCGATCCGATT
TATTTATGTACTTTTGTGTTAAAAACAAAGCCAAACGATGTCCTTTCTAGCGCAAACAT
>EP78678 (+) Dm CG1169; range -499 to 100.

CCCCCGTGGGTACAAACGAGTATCCAATCTGCTGGGTGAGTGGTATTTTAATTGGGTTT
CCAGGCACGCACCTCGGATTGCTGGGCACTTGATTTTACGAGCGGATCCCCGGCCGTCGA
TGCAGAAGAAGCCATCAAATAACTTTCAATTATGTGCGGCCATTATGGCGCGTATTATG
CGGGAAATCGTCGCAATGAGGAATTCCTACTCCTCCACAAAGAGAACAGCGTGCCCAT
AAACGTTTCGCTGACCCAATAGACTAGAGTATCGAAATAGAATCAGAGGCCAGAAGCACA
GCTAGGGCCATACCTGCACAAAGGTGAAACTCAGGTGGTCAACTTGCGCTTTCCATGACT
TTGACAACAAAGCGAAATGGTCGCTAAAGCTGGAGCCCAAAGCGGTGGGCAGAAAAAGAG
CTCCGTGCGTACCTGGCATAACGCAATTCATTAGCAAAGTACCGTCGTATAAAAACCAAG
CGGTTCCCATGCGACATTTGCATAACCCGCTGAGTGGCCAAACGCGTGCACACCACCAAC
CACCTGACCACCGGACCATCGAACAGAGTGAGAGTTGAGGACTAACCGTCGTCGAAAGG
>EP78679 (+) Dm CG9590; range -499 to 100.

TAATTTATGAGCCAGTTAGAATTGGGACAATGTCGGCAAGCCAGAAAGTTACCAAAAAAG
CACTTTTGACATTAAGCAGAACTCGTGCGATTCTGCTAAAGAAAAATAGCACACGTTTGA
TGAAATTTAGTATTAATAACTAAAGTTGTATACTTAGTGTTCCCGATTTCTTAACCTCCGA
CGTCCGAGATACCTAGACTGTCTAGCTACTTTTAAGTCCACAGCCATACTTAAATTCT
TCTTTTAGATATTCAAATATTACGAATAAATTAGTTATAATTATTATATAAGTGTCTAT
TAATTTAATTCATACAATCATTTCAATTAATTCAAATCAATCAAAGGCAAATAGAGTAGCT
AGCATTTATACCTAACAATAAACATTTCTTAAGCACAGTTTGAAAAATATTTATATTCTCT
ATATAATATTTAAATATGCGCGCAATTTCTGACAGTGCAGCGAGTTGGCAGGTTGGCGTG
TAACAGCTGTTAAGTCTGCACTGAGTTGACAGCTCTGACTCAAATCTAAAAATCTACGT
GGAGCAAAAAATAAACAATAATGGCAAAAAATCCAAAAAAGGAGGAGGACGGCGGTAACG
>EP78680 (+) Dm CG5941; range -499 to 100.

TGCACACTTGAGGGGCGATAGTTGGCATTCCGCTGAGAACTGGTCACACCGCACAGCGGG
CCAAGCTCTATAACCGATACTAGAGGTGGAGAAACATCGATGTTGGCGGACTCAATGTTT
TCGATGTGTTTGGCGAAAAACATCGATCTTTGGCAGACTTAGTCGTTTACAACCTAAGAA
TTATTTTCTTTTAAATATTGCTAACATAATATTGCTTTTCATACGTCGCCGGTCCAGTA
AGTGCTCCCATAAAAACAAAAATAAATTAGTCCAATTCAATGGATAAGTAAGCCAGTAT
ACATACGAGCACGTGCACGCTTACACGTTTATGAAAAATTAATTTTACGTACAATTTAT

ACACTTTTATCTCCGATGCGCAGTATCGATGGAAAACCATCGATGATTCCTCGAAACACA
TCGATGCTTGTGATTTTTTCGAAAACATCGATGACATCGAGTTGGCATCGATGTTTCTCCA
CCTCTAACCGATACCTTCTATCATACATTGAAGACGGATTAGCACCGTCGACCACGAAAA
AAGAACGCAAGGAAATCGTGCAAAATGTTCAAAAAGTACGTATGGCATGAGTTAGATGGG
>EP78681 (+) Dm BCDNA RH06304; range -499 to 100.

AGTAGGTTCTCCACAAAATTTGTTGCTTTAAAATCAGCCTAGAAACGCACAAAACACTG
TGGAAAAGTAAAGTCAATATAATAAATATAAAATAGAAATAATTTATAATAAATTTAATG
ATCTTGCTTTAAACTAAACTTTTGTATGTTCTTGCAATTTATGCGGATATTTTGGGATT
TGTGCTCAAAATTCAAAACGGAATGTTAGTAAACGGCAATGATTAATTTTAAATTTAATT
TTGTTCCCTTTGAGACGATGATCCATTTGGACACCTTTGTACGATCTGGAAGAGCACACT
CTCTGTGGAAACTACGCATCTGATCAGTCCGCCTCCCTGGCAATTAAGCAATTAGCAAGT
GCTCGCGGAATCCCCTCAATCAAGCAGCTGAAAATGCAATCACCCTGACTACTGACT
GGCTGATTCGCAACGAGCCGCGCTCCAAGTGGCTCTTTTGGGCAACCTATAAATAGGCA
ACGGGCTGGGCCAGCTCTCGGTTCACTCTCGTCACCGCGCTCCAAAGATGCACAACCGTT
GCGGATCCATTTGGCTGCTGGCGCCGCTGCTGCTGCTGGCGCTCCTGCTTCCGCAGG
>EP78682 (+) Dm CG12998; range -499 to 100.

AAGCCTTGCTAGGTTAGCTTTAAGAGCGTGATGACACTATAGTCTGGATGATATACATAA
CATTTTATCAAAATTTTACGACACACTTTTATTACTTTATATTCAACCCCTTATTCCAAACGTC
TAGTTATTTCTCGCAGTGCAGGCTCTGCTGCAGTTTCCGCCAGCAGCGAGGCGAGGAAAT
GATCCATCAAGCGTGTGAGTTATGTACGAATTTTGCAACTTTGCCACATGGTTGGCTGAC
TTGGCTTGATGGCTACCCAGTTGTGGCTTCTGCCTCTGCTTGTAAAGCAGACCCAGTTGA
CCCTGGTCAAGAATCGGACGCTCAAAGTGGTTTAATAAACTGCAATTACCCGACCTGGCC
GGGCCGGGCTGGCCTGGCCAGCCACCCGCCACTGGAGATTTATTTTGTGGATTCTCGT
CCAGATTAGTCTGGGCCACGAGTTTGCAGTTCGCCAGTTATTTTTCGATAAATAGCGA
GTGGTGATCCAGTGGTTACAGCATTGAGTGCCACACTTCGAGACGCACAGCAAAACAAA
CCAGGATCTACTCTCCGAGTCAGGACTAAAAGCTTAAATCCCAAACACACATAATGAA
>EP78683 (+) Dm CG17508; range -499 to 100.

ATAAAATTTATTAAGAGCTCTACCAATTCTCCAACCTCTTGATATATAACACGTAAGGATGC
TTTTCGGAATATTAACCAATCAATATACATATAAATAATCATAATAATAGTATCTAAGAG
CTACTTCTTGGTCTCAGTTTTGAGGTATGTATACTTTAGGTAACAGTGGGAAGTGTATAA
TAATTAATATCTTCTTATGAAGCATGAACACAAGAAAGTAACTGAAGTCATAAAATACC
TGATATAAACCTGTAAATGTAGAAAATTTGCGGGTGAACAATAAATATATAAGAAGTTTG
TTGTAATAAAATAATTTTATAATAAATAAATAAAGGATATTGGAATGCTACTTTTAAA
GCACACTTTTAACTGTATGAATGGAAAAGACGTTATTAATTTATAACGATAGAAAAAT
ATTTTATCCGAAAAATATCGATAAATGTCTTATTGCACTCCCATCGGTCTACAGCAATT
GCTTGATTTGGGTTGGTTAGTCGGCTTGATAAGTTTAATCAGAATAAGCTTTTATTTTG
CATTTGCCAAATACAATGTACATCACAACGGGCAAAACGTTTTCGGGTGCTGAAAGGACCT
>EP78684 (+) Dm SMO; range -499 to 100.

TGCTATGATCGCCGCCGGAAGTGGCGGGCGGTGCGGGGGCAACGTCCATGGCTTCTATTT
GCGTTTGCGGACTCCAACCAAGCCCTGTTATCCGTGTTTTTGGACCGTGCCGTGAAATA
ATATTGCAGAATAGGGATGTAAAACTACATCGATGCTTGGTGCCTACTATCGCGGTGT
TATCGATACTCCGCACCCAGTGTGACCGTCGAGCGCATGGCATAAATAAATAAGCCAGCG
GCCAGCATTGCCATATAGTCAAAATGTTGCGGGGAACACCTTTTTCGTTTGCTGATGCAT
TTCTACATATGATCATATTTCTATTTTATGTTGATGTTATCTTATGTTACGATCGAACA
AAATAAATCCGATTTGTTTGCAATATCATTCGACTTGTTCGAGCTATGACCGATAATAACC
GATGCCGACCGATAACATGCAAAATCTCGCTGACCGATAACATGGGTATATTTAACTGGC
CCTGAATGGTCGCACATTTGTTGCTTCAGTTCACGTTGAGTCGCGTTTATTTTGTGTTT
CCTCCTTGGTTCTGTTTTTTTTTCTCTTTTTTAAAAACACTGCAATCCTTCAAAGGGA
>EP78685 (+) Dm BCDNA GH03377; range -499 to 100.

CCACTCGCATTGCGCTCGCTCGCTCAGAATGTGCTGCATGACATTGCTGATCTGTTGCGAG
CCCAGGATCTTCGGTTGCTCGGTGGCCAGTCCATCGATGACCGCAGTTTCCAGCTGGCTT
GAAATTTTGGCCGGCGACTCCTCCTCGTTGGCAGTTTTTAAAAACGAATCGCTGTGCA
GAGGCCAAGGCTCCGGCCGTAAGAGGTCAGCAACTGAGCAATCGAAATCATTTGAAAT
TTGATATTTTAAATGATTCGAAAGCGAATTTAGATCATGCTTTGAAAGTTGTTACGAT
TGCTATGAATTGAGTTTAAATATTTCAAGGCTACATAAATTAGTAATTAACCAATAGCC
ACCACTGATTTGGCTTACAACTCTTTTGTTAATATTATTTTAAAGCTTTAAATATT
TTAAATAGATTTAGCTAGAAAATAGCTGACAGACACATATCGATATATCGCTGCGATAGC
CACAGCTGTTACGCCCCGAGTTTAAAGCGATGTGGCAGCCCTGGTCGGCCACCAAAAAAT
AAACATTGGAATTTTCCCTTAACTTTATAGAGTTTTATCCAATTTGAGCGATGCTGCCGG
>EP78686 (+) Dm L(2)01810; range -499 to 100.

TTCAGTTAATTGTATTTTGGAGCTTAATTGTATTTGGAGCATGGTTGGAATAGTGCATAT
AGAGATTCAAGTTGATTTTTGTTAAGTTACCGTTGTATAACAAAATAATAGTTAATTTAA
TAAATAAAATTTAATTAATAAATTTGGTATATGTCTAACACGTATTGTGAGAGTGGTTAAT
ATTTGTTGTACCAAGTACCATTTGAGCAATAAACAACTAAATATTGTATTGCTGCACGT
ATTTTCTCGCAGTGCTCAATTGTGGCAGCATGTACAGCAAGTGTTACGAGTCAACTCCCC

TTGTCAATATAGCGATACACGATCGTTGGCCGGCATCCAATAAAAAACAACAATAACG
AAAAAGCGAAAAATGAAAAATAAATCAAATAATATGAAAAAAAACCTCCTCTGCCGAG
AGACGCCGACTGCGCAGCAGCAGCAGCAGCGGCGCTTATCTGCTCATATAAATATA
AACTAAAGTCGCGGGAATAATTTCTCATTTGTAATTTGGCTGGCGCGTGCGCGTTTCG
GTTTGAATTCGAGTTCGAATTCGGTTAGCACTTCGAATCCGATTTGGAGACAAGTTCGA
>EP78687 (+) Dm CG9265; range -499 to 100.

ATTTACTCAGTTCCTTATAACAAATATGCGTAATGAAAGGGCCCCGAAGGTATACTACTC
TAACTAAACTTTTAAGAAATAATACGAAAAATGCATCACCCAAGCGATGTAATTTATCTTT
CGTGTTTCATAACGCTAATTAGCCATGTTACGCCGACCCTCTATTGCGCCGCGTGATAA
ATTTATGAAAAATACGTAGAACGATAAGTCTTGATTATTTTAAATAATTACACAAAGCAA
ACTGGGAAATAAATAGCCTAAAGCGAAGCGCAGCCGAAAGCAGCATAAGAACCGAGCCGC
GAGCAAAACAAAAATAAGAAAAATATTAACAACCTATAATCCCAGCCGAAGCTGCGGCTCA
AGCTCGATGACGTACAAGCGCGACTTCGGCCGAGCGGCGAGCGGTAAGCAGCGCAGTCG
ACGTCGACGCCGGCTATATATCCAATAGCGCGCCAAAATAAGAAGTCGAAATTCATTCTT
TTCGAGCCCAACAACGTTCAAATTCGTTTGCTACGCTACGAGAGCGGACGTGCAGTGCGG
AAAAATCCGACAAAATCAGGCAAGTCCCCAGATCCAAAATATATACGAATAAGCAAA
>EP78688 (+) Dm CG9122; range -499 to 100.

CTTTTCTCATTTCGGTTGGAAGCTGTTGCTGCTGATTAGAAAGTGAAATTACGATTATGA
GCCGAGATCTGTATACTCTCATATATGTTCTCATTTCATATATTACAATTCATTCAATT
CTTGTAATTACATAACTAATATAGAATACATAATATATTATAACTAATACAGAATGTAAA
AATATATTTACATTTGCTGACTAAAACAACTACTTTAAATATAAGAAGGACTTTCTTTG
TAAGGGCACGGTGACGTATGCGTTAGCGATTTGTCCTGACTCCAACATGATTTGGCCAA
TCAGGACGTGCCACCCTAAAAGGAGGTGGGTCTCTGAATAGAACAGAAAACTCACTTG
TAGCTTTTATATCCTTGAACGAATTTATCTCGCCACGCACACTTAATAAATACAATTGAA
TATGTATCTCCTGTGTGCCCGCGTGTGTGCGAGTCCTGCGGGCTGCCTATAAAAGGACTT
TCGCATCCGAAGGATCTTGCAAGTTGGCGCTGAGTTGCGCATACGACGCGTGTGCCGCGG
AAATCGAAAACGAGTAGCTACCAAGTGCAAGTGCAAGTGATGAGTGCTTCCGGGAAGAGTCT
>EP78689 (+) Dm DALLY; range -499 to 100.

TTCATTGGCTGTGCAAAATCGTTTGGCAATCATCGAAGAGAATAGATATCTTACGAAAGCT
AAGCTTGCGTTACTAATCTTAATTTCCCTTTTACTCATACTACATGCTGTTAATAAATA
CAACATCTTATAAATTGTGGTTGGGCATTCCTTAATTAATACTTTATAATATCTAATA
AGCATTACAAAGTTTGTGGTTAGTTCGAAGCTCGTTTTCCAAAACCTAAAGACTCAAA
TTAATTAATTCATTTTCAGATTGCGCCCTTGATTACTCATGTATTCTCGGCGTTAACCTG
TGAATTAATTTGAGTTTCGCATTAACACCTCTATTCAATGCAACTGTGCCAACATCTGT
GCTCGCGTTCTCTTTTGTTCGAAAGAGAGCGTTCGGATGGTTCTCTTAGCGCCGATTGT
CGAGTGCCGAGTGTGGTTCGTGTTTCGCATCGTTAAAGTTGTAGCACTCAGGGCGGATGTT
TGATTTTCGATGGCAAGTCAATCTGTTCCGGTTTCTCGTCGTGGAAGGTTCTGTTGCGCGC
GCGGAAAAACTGAAAATATCGGTGCGAAATTCGAGCGGAAAAACGCTAGAAAAGAAGGCG
>EP78690 (+) Dm DB0; range -499 to 100.

TTCAGCGTCGCGTATAGAAATAGTATGAAATAAAAAATACCAGCATGCTGCTCACTAAGA
TACCAAAATATACCGTTTCTTTAGCGACCGAGGAAGCCAAATACAGTTGGCTCTGTGATA
AATGTACTCTTACAAAGCCTGTCTTACGTTATTTGCTTATTTTTTCGGGAATATTAAAG
ACAGTTTACTAATGAAATTTTAAGAGATTATTATAATGATTTCAATAATTCACAGTTAG
ATTCCCTTCCGTTGCACTTACTTGTAGTTGTATACAAATAGTGTTATTTTATTTTAAAT
TATTTAAAAATATGTGATCTCTTATTTTAAATTCGAAAAAAATGTGAAGAGATATTTCA
AACAGATCTCCTTAAATTAGCTTACGTTTACGATTTAATAACAATATCGATATAACGAA
ATGTCCACCAAGTATCACAATATAAATAAGTGTATTCTCAAAAATATCGATACACTGAT
ATTGTTATGCATTTCTCACATCTCTATCGCCATACCAATCGTTTCGTGTTTCGACTTTTC
CAGGCCAACCAAAAAACGATTTTTCGTAAGTGAAGTGCAATTCGCGCAAGGAAAAATCT
>EP78691 (+) Dm RAB23; range -499 to 100.

TGCGGCAACACATTTCAATTTGCGCTTTTTTCGAGTCCGCGGTTGAAAGTCAAACAAATGC
GCGTCTTGTCGTTTGAACAGCTGATTGCCAGGTGCTTCTTCTGCGAGTGCCAGCCA
CTGGGAAGCAGTGTTGCAAGGGACGGTAGAGGTAAATAACAGGCGCTACAAATTTAAAA
TTTAAATGCAAAGTGTTCTCACGTACATGTTTATTCAAAGCACTCAATAATAGTATGTAC
TTACTTTAATAACTAAATATTATATGCACATTGGACAATGAATTATTACTTATTTATTTA
TTTTGTAACCAATCTTTAAGTCAAATGGGAGGATGTATATATATGTTTCATTCTCCGCTC
GTAAATTATTATTGGAGACGTGCAGATAAAATAAAAGCAAAACCCGTTACATCGAAGCTC
GCCTGGTGTGACCATCCACGCTGGTCAAACCTACTTTGCGCACGCCATGGTCGCACTGCTC
GCAGCAAGCCAGGCTTGGCATTCAAATTTTCGATCGCGACGAGCAACAGGTGCGATTTTGT
GCATTCGCGTTTCGAGTGACGCGCATTTCTCCCACTTGGCGCCCTAAAAAATCGGCCGGG
>EP78692 (+) Dm CG11968; range -499 to 100.

GCATTTGCGTAGAGTTTTCGGGGTAGGTTCTGTTGAATAATTATGTTTCATTTGAACGGT
ACAGTTAAACGTCAAGAAAGTGACAAAAATAAGTCTTTTCGCTAGAGATGAAACAATAAAG
CGGCTTGAGTTGTTTCGCGTTCTTGGTACTGCAGCTTATCGGCATTCAATTTGAAAAATA
AACCGTAAATAAAATGAATACAAGTAGTATAAACTAAAAATACTTAACCTATTAAACAA

CTCAAATATTTTTACATTGTTTTCTAAATCCTGTAAGTAGTTAGCCGTTTTATGTTTAT
TAAGTATAAACCTAGACCCCTTTACCATTAAAGCTCAATTGCAGTTTATGTTTAATTTATGC
ACAAATATTTAAAAAACCGCAAAGATGAGGTGCTATGTTTAAAAAACAATTAATTTTC
TTATTTATATTTTATCAGACGGTACGAACTAATTCGATAACAATTTATCTAAGTTCGCGT
TACTTTTGATGGTGTGCATCGAAAGTGTATCATCACTAACCCAGCCTATTATTTGTTTTTA
TTGTTGATTATTTCTGGAGATCTAAAAAACCGCGGCACAATGAAGAAAAAGGTGTGG
>EP78693 (+) Dm CG13631; range -499 to 100.

AAATTAATATTAGTGAATAAAGAAGTCTATATCATAAGCTCCATATGGAAAGTATGAATG
CCTTAGCTCAACAATCCTGTACCCGCTATAGGACGCCAAAAAGTATGCTTTATAAACTCA
AACATATTCAAAATTCCTTTAACGACATCCGCACACTTTACATATATATTTGGAACCTCC
AATGGATTCTGTTCTTAAATCCACACACATATGCTGGAAATTTATCTTTTTTTCGGTG
TAGAGAAATTTATCATTTCACTGCAGCACAGCCGCTGCAACAGAGACGTGCGCAGCAAGC
TCTCGCTGTTTCAACAGCTGCTGATCGCAGTGCTCTCTTGTGTTTGACAGCTCTCTCTG
CTCATCGCTGCCGGCGTCGACGTTGGCACCCTGCCACTGCCTCTGCCGAGCGAGGCCCTG
GCCACAAAAACAACACCACAGCTTTTCGAAATTAGTTCTAGTGAGTCTGTGAAAGTGTGA
GCGACTGCGAGGCGCGATCAATTGGCAAACAACCGCAAGCGGATCAACTGCTCCACACGC
CACGCCACGCCGAAATCGCTCAATAAATATATAAAGCGGACTAGCCACCAATAACAAA
>EP78694 (+) Dm CG1972; range -499 to 100.

TATGTGTATTTATAGAAAGACCTTGGGCAATTCTAATCTTACAGCTTCTTCCGGCCAAAG
CAATCTGTTTGTGCTTATTCAGGGCCAGGGCGTTGCGTGTCTTCCAGGCATATCC
GCAGCGAGATTGTGGAGGTGCTCCACGGAATCGGGCATCCTGCAGCAGTTGCAAGTTC
GCCCCGAGAAAGCAAACAGTGATTTGATAAGACAAGACGCTATCTTTATTTTCCTTTC
GGTTTCAGTATGACCGTTTCTCGAGCGGCAAACATTGGCGCGAGTGTTCCCAATGCAGA
TGTTGAATATTGTTTGAACAAAAGACTTATTGTACTAAAGTTGATTATTCACATATAAT
TAATGTATTCTATACATATACAGACAGAAACATTAATTTCAATTAAGCTATTAAATTCTT
TGAAACTTCTTGAACACTCCAATAAGATCTGCCAGTTGGAGCGCGTCTTGGCCGACCA
TCCACACCGACGGAGTGGCAACGCCATTCTGTGCGGCTTGTCTTTACAAAAATCACGGT
CGACTTTTTCGACAATTTCAATTTACCAGCGCAACAAGTGCCGCAAGAAAGCAGGAGAGT
>EP78695 (+) Dm SYX13; range -499 to 100.

GTTGATCTATTTGTTGGCCAGAGTTTAAAGAATCAGATGTTTGCTTTGAAATGTGTAAA
AAAAAAAACATGGGACATGTGTGACGTGACTTAAAGCTATTCAAACGTGACTTTATAGGA
ACTTTAAATCAATTCACAATGCCTTAGAACTGGACGTAAAGTAAACTACCTCAAAAT
TGACATTTAGAGCTTGAAAGACTAGTTTTATCTATGACACGAATTCAAAAGTTGCGTTT
GTTAAGTAAATATTTCAAAAGCAGATTTTAAATGAGGACTTAAATTTCAATTTATGATGAT
GATTGTGTTATTCTTGTGTTACGTCTTCATCTCACTTATTTCAATTCATATCATAAAAAAAG
GGCAATAGATTATTGAAAAAGGAATTCATTTATTTTACGGGGGGGGGGGGGTGAGTTT
TAACCCCTCTGTGGTGGTGGGGCTGGAGTTGGCGCCCAAATAATCGATAACCCGCCCC
CAGCATCGATAGAACGGCCGCTGCGAAAGCTCCGGTCACACTGCTCAGTGGGCTGCTGCT
TCTGCTGCAGAGAATTATCATTGTATTTCTGTGGTGAAGGCTTTGTGCGGAACATTG
>EP78696 (+) Dm CG2185; range -499 to 100.

ATCGGCCAGGTGCTCGAAGCACAGCCTTACGTTGGACCGCAGGTTTTTGACGGCAGTTAG
AGTGGAATTTAACTTATCCATAACGGTAATTCTCGTTCCGGCAAAAAAATGTTTACTT
TGTTTTCTTTGCGAATGCCAATAGAGATGGGAGATTGCCAGTTACGAGCTAGTGATGAGA
CGAAATTACTGTAGGCTTTCGATAAACGATTGGATATTTCTAAGAAATTAATTAATATAT
CAAATTTTGGTCGTTGTTTGAAGGAAATGCTTACAAATGACCCCTTAAAAATGTGCA
CTTTAAATAGATACAAAAAATATGTGAATCGATATTTATAGGGAAACCATCCACCACTT
GACAAAGTCCGTCTCTAGTGCAACCATCGCTGGCTGTTCAAGTATTTTTTGCACCCGATT
TTCGGCATTTTCCGTCCTCCGCTGCATTACAGCTGTACACAAATCGGACTTGTGGTC
CAATCCAAATCGAATGCCATTCAATGCTCGTCTGCGATTGTTGAATGTTTAAACAAACCG
ATCGGCGCACAAACACCCGTCACCATGGGCAATAAGTCGTCGCTTTTCTGCGGAACGAG
>EP78697 (+) Dm CG4702; range -499 to 100.

CGAAGTCACACCTGCGATCTGACTAGCCACAACATGTTGAGCTCAAACCGCACTTTGAA
GTTGAGCGCTCGTTTGTCTATGCGCAGGCGCCACCACACGCATGCGATCAGTGATGCTT
ATCTGGCCAATTTCCGTTCAAAAATACACAGGGCTTGTAAAGTTGGCCAGCACTACTGAAT
AGAGAAATTAACATTTATTTTATTTAAAGTTAAGTAATGCCTTTATTATTACAAATATT
ATTATTATATTTATATATACCTGTCTCATATTTATTGTTTATATAGTTGTAGCTGATC
TTAAAATGGTAACAACCTTTGTATGCTAAAATAACCTTCTTCTAGAGACAACTCACAAAGT
GTGAAACTATCGCCGTCTTCAACATGTTGCACTTCGAGCCTCGGCGGCTGCATTTCTTC
GGTTTCGATTCCAGGCCCATCGCGAAGACGGTAAAATGGGTGAGGCTATAAAAGCTGAAGT
TCAAGGCGATCGCCGTTTCAGACAACCTTTAGCAGCCGTACAGCAACACCTCCATTTAAA
GCCAGTAACCACCAGCTGTAGTGCCAGTTAAAGCCGAACACTCTCGAATCGAAATTAAC
>EP78698 (+) Dm CG4617; range -499 to 100.

CACCGGCGAAACGACTCACAAACGGCGAGAATCGCGTGCCATGGGGCGCTTGGCGCAGTT
AGGTGCAAAGCAAATCGATAAACTAAAAGCCGCTTTCAAACAGCAAAAAAAGTCGAA
ACAAAACAAAGGTGCGGCAGTGTGACCAGCTGATGGTTTTTGAAGCTAACTGGATATTA

ATTAGATGTATTGTAATAAAAAATGAAATTGCAGTCGTATATATCGTAAATGTTTTGT
TATAAAAAATAAATAATAATAATAAAAAAATAAGTTGTGCGTGACATCCTGTGCTTA
TAATTTAAATAATATAACAATAAAAAATATTATATTATTAATAATTAAGTTTAATGGTT
TCCTACTCTGTACAATTGACTGGTGCAATGGTTATTAACCTAGCAATATATTCAAAACT
AAAATGGTTATCTAGTGTCCATATTTAACCATCGCTTGCAATGCATCGCGTTTTAAAGC
TCTGGTCACACCAACAGCTGTTTTGTTGCTTCGTTTAATTGTTCTTTTTGCAACAAA
TTGCATCCCAATCTTCAAAGCAGGTATCCAAACATGGAGTCCCCAACCTCGCACCTGGT
>EP78699 (+) Dm CG18107; range -499 to 100.

GCTGTGGCCAATGGTGAGTAAACTAATTGAAATTGCCTATTTGATGATTTAACTAATTT
TATTATTATTATTATTTTCCAGCTGTTCCACTGTGCGCCGATCCAGGAAATGTGATCATC
AATGGCGATTGCAGGGTGTGCAATGTCCACGGTGGCAAGTAGGAAGTTTCAACCCAAGGA
TTCGAAAAAGGACATAGTCTACAACTAGAACACAAAAGCTGTTACCATTTTTTACTGGA
ATAATACATAGAATTAATAATGCAAAATCAAAGAAATACATACAAATAGAGGATTCTATTT
CCTTTCTAACTAAACAAAAGATGTTTTTATTTTAGTATTTTGAATTAATCAAAACAA
AAAGTGTAATCTATATTTCCACGAAAAAATATTTTGTGAGCAGCTATCAATCAATCG
CTCTCATCTCATATGGCACTTGATTCACTCCTAGATCCGACTATCTGCTATATAAGATCG
GTTTCCCTTAATCGAGAGCATCAGTTGTAGTTGATCGTTTGTCCGGTGTGTTTCAGCTTAT
AAAACCGGATCTATTAATTGAAATCAATATGCGATTCTTTGCAATCGTCACTGTCTTTG
>EP78700 (+) Dm CG4229; range -499 to 100.

TGAAAGCAATAAATAATTTTCGCAACAAGTTCTGATGACAATTTTCATTGGCTGTGACAGC
TGGGTTGGTTGCGCCCATTTTCCATGTAATACGCATTAATAATTAATTAATTATTCACCG
CCAGGCAATTAGCTGTGCAAAAAGCGATCCAAATATGATGAGAAAATAGAATAGAAGACT
CTCAAAGAGTACTTCCGCACAATTCGACAGGCCTGTGAATTAACACCTCAAAAAATATAT
ATTTACAGCTCGAAGAAAAACGTTATGAAAATAATTGAAATAAAAAATGCGGTGCCTAAA
GGTCAAGTCGACGAACGAGGTCCAAAACCTGGACCACTTGACATTGTCCAAAGCAAACT
GAGGCAAGACGAAGCACCCAAGAGCACTCCACTCTGAAGTGGCTCCATTTGTTACTG
GCCTTTTTGTTTTGGTTTCTCTAATTATGGCCGAACCTCGCTTTTGGCTATATATTGAGC
AGTTGGCCATTAGCAAATCATCAATCAGCTCAGGCAACTTTCAATTGCAAGACGCAAATC
GTAAACCCGAAAAGGCAAACCTTGAAAAATGGTAAGTCCTCAAGGATTTGAGTTTGTGCA
>EP78701 (+) Dm KAR; range -499 to 100.

GACGGGCCTTTGATCGCAATATGAAAAGAGGAAGCGCCGGCCAGGAGCGGCGAACAAT
TCGCCGGATGAGTCAAGTTGGGGTCAAGCTATTGAGCACTGGAACAGTTTCGCTTTGGTGG
CTGCGCGGATATGGCACTTGACGCGGTGGAAGTCATCGCCACCGACTAACCAACCAAT
TGATGGTATTGCGCAGTGGACCGCCGAATGCTTCAGTTTCTAATTCTGGGAATTGATCAA
TTAGAAGAGCATTCAATTTGAACACAAAATCCCGCCGGGATCATGTGATTGCGCGAGGA
ACTGGACCTGGAGCAGCTGCATCATCAGCCTGGCTGATGGGAAACCCTTGACGCATCGCT
TGTCTGAGCGTTGCCTAGGTGAATTTTTGTTTACCGCAGAGAACAGTTGCTCTGCTTCTC
CGATTAGGCGCCCTCATCAAGTGAGCGAGCGATTTTTCGCAAAAACAGCTCGTGGAAAA
TAATTCAGTTTTCTTCATTCGCCGCCGACGACGCAAGCGTTTCGGTTGTGTGCTCGCTCG
AGAGGTCTCCACCCGACCACTGATTCCCGCGATTCTCGAGTCGGCTTCATCTGATTCCCA
>EP78702 (+) Dm NONA-L; range -499 to 100.

ACCGAATGTCAACCGAGAATCTTCAGCAAGCTTGAGCGAATAATAAACTTTAAACTAA
CTATAAATAAATCGACCGTCTTTTTTGCATTAATCATGGGTTATGGGTGTGGAACCTG
AATTTCGTTTTACTTAAAAAATTTACAATTACAAAGCCACCTTCTGAAACATTTTGGAG
TATGAATAATAGAAATTATAAAATGAATAACAACCTGGAATGTTGCTTATTGGATATATTA
TTTATAGATCCTTAGTTACAGTATTGACTTTATTCGCGAATACCTTCAAAAACGTGAA
ATTTTTTTAATTTGAAAAATTCGCTCGATAGTTTACTTACCCAATATTACAACCATTAA
AACATCGATAGTTGTGTGAAAAATCGATTTTCCCGTTTTTCTATTCTAAAAAGTGTTAT
ACCATCAACATTATCGATTAAATGTAATAACTATTTTAAGTTTTATCTTTTCAACCCGGA
TATTTTAGGGGATTAAGGCAGTTGGAATAAACTCCTTTCTGTGCTGGTAACATTTTTTT
TCATACCTGACAGTTCTCTCAATCGGTGTTTTTTTTTCGCATAGAAAATTGAATTTGGGA
>EP78703 (+) Dm CG12290; range -499 to 100.

TGCGCGAACGCCGTTGTGTTGCACATTGGAAATTGTGAGAAGCCAGAAGAAAATGTGTC
TTGGAAAATGGAAAAGCACGAGCAGCAGTAGCACCAGCAGCAGCTATAACATTGAGCCAG
TGATGTAATACAGAGCAAAAGTGAAGCGGCGGCAATTGGCATTGCAAAAAAGAAACAGAT
TATACAATTTGTGTTGCTGCCGCACTGAACTAGGACAACAGCAGCAACAACAGCAGCAGC
AACACAACCACTAGTGATAAAGACCGGCTGGCAACAGTGCAGCGGCCACTTGACGCAAC
ATAATTTCAAAGTCGGAGCGTGGGAATCGCAAATCACGGCAGTGGCAGCAACAACAGCAA
CTGCAGCAACACTCGAGCACTCGTGGCTCTCCGGATCGCTCATTTCGCTCGCCGTTCTCG
CGCTGGCGTTTCTCCGTTTCGCTCGACCCGCCTGTGGAGCAGTCGCGTATATTTGGAGG
CGTTGGGGCGAACGCTCACGACAGTTGTGCTTGAACGCTTCGGAGTGAAGATCGTGCTC
GTCCGATCGGTGCGCGTGATAAATACACGGCGAACAATAATTGAGTCAAGAGTCAGACGGT
>EP78704 (+) Dm OBP99A; range -499 to 100.

TTTTTGTAACCTGAAACATTGAGTAAATAAATTCCTTATAGAGCACATACTTATATATGC
CTTCAATAAAATGCCGAAAATAAATGTAATTGCAAGTATTTTAATTTTCTGCACAGCGA

CTGTATTTTTTGCAGTGCACCAAAATATGCTGCGTTTGCTAAACGTGGGTATTAATCTGT
TTTCAGCAACAACAAAAATAAGCGCGCCAATTTGCCAAAGATTAAAGGGGAGCTGTCTTA
TCAGCGACTGAGCCCATGGAGTTATTAGAAGGCATCCATCCAGATTCCAGATTCTTTGT
TGTCCTACTTGTGCCCCAAGCATAAAAGCCCATCACAAAAGAATCAGATGCCAGCTTGG
AGTTGAGCATAAAAATAAACTGGGGATCTACAAGCATAATCGCGCCTTGGAGACCCCTCA
GGTACCAAGTCCATTCCCGAACTCAAATCGGATCCCTCGCTCTCGTATAAATAGGGGCTG
CCTGGCCCTATTTCAAACAGTCTTCGCTCGATCGCTGGAGGAATACATACATAGGTGGA
AAGAAAGTGAATAAGAGTTTCGTTGCCATCTGCGTGCTGATTGGACTGGTGAGTGCT
>EP78705 (+) Dm EG 152A3; range -499 to 100.

GCAAGTAGTTTAGTTTACGGCGTACTTAGTTTAATTTACAATTAGAGCAACACAACACTGA
AGACAGAATCGAGAGTAACTTTTATTATTATTACTTGTATATTATTAATGGACGA
CCAAAGGAGCCAGTTTCTCAATTTGTTAACCATTACTCTATGAAATGAACTACGGTTT
CCCCTCACAAAAGTTGGGAACGTGCAAGGCAATAAAATACTAATAAAATAAATACACGT
ACATAGACACAATAAACCAGTCTGTTTTTCTAGTTTCAAACGATTGGAAGTGCTGG
TTTCATACTAACTAAATGACTCATTGCCTAGGCAGTTTTATGTGCTCTTCTCGTAGTT
GTTCTCTGCTTTTAATCTTTAATTAATAAAATTCGGCCGTTACTATATCAACTTTTCTTCGC
GATAGTTATCGATAAGTATATCAATTGCAGGGCAGCAAGCAAAAGTTAAGAGGACGAGGC
GTGGGTATCGATTAAACGATACCTTCGTAATTTCAAGCAGCTGATATCGATTGGACGACAGG
GCTGGACCTCACAAATAAATAAAAACCAAAATATTCAGTGTTTTCTCAATTTGAAGAAT
>EP78706 (+) Dm CG8907; range -499 to 100.

GTTTTTTGAAAAATAGTCATCAAGACGTTTTTAATGATTTCTGTAAAGATTAAAACAACC
ATAGAGATGCATTTTTGCGATATAAACTTATACTTAAGTTTTATTCAAGAACACTTTCA
CTTTTTCGCCAATCAATAATAAGCTATTTAAGTAATGTGTTAATGGAACCTAAAGAAATT
CCTAGTAATTACTATCTTTAATTGAAAGTAAGATTTGTTGTTGGTAACAGGGTCAACTGC
TGACCATTTCATACGATCCCACAGTGGGCCGATATCAAAATCAAGGCCAAGGGTAGCAG
ACTCTCTCATAGGAATGGTATTCGTATTTGTATTTGTTGCTCTGCTTCCAGATAAGATT
GAAAAAGTGCCTATGAGCACCAAGAGATAAGGCACACTTTTGCTTTTGCGATAACGCACC
ATCGCAATTTCAGGCAATCAATTAATGAGCCAGCTGATATCGCCGATTCCCATTCCTTT
GGGCCAGCCAACGTGAGTTAGTTGGAGTTGGAATTCGATTACAGCGGGTCGAGAGTTGT
AGATCGGGTCGAGAAAAAAGAGCAAATAAATAAATAAAGAGCACAGTGGGCAGCACACAA
>EP78707 (+) Dm DANR; range -499 to 100.

CGAGAAGGTTGGCCAAATACACGCACACACACTTTGCGAGGAGGGAATGTTTATGGGAGG
TAAATAACTGGTTTTTATATAAACACACGGGCACATACACACACACACACGACGCCAGT
GGAGGAGCCGATTTGGAAATGTGCATCCTGTCATGCTGAATATCTAGATCCACAACACCAC
CACACACATACGACGCCGCGAAGAGGGACGCGAATGATGGTCAGGACATCAAACCCGTT
AAGAGAGCCGAACAGAGCGAATTTCTGTGAGCAGGACATGAGTAACAAGTTGTTGCACTGG
TGGGTGGTGGGTGCGCGCGCGAGAGAGAGAGAGAGAGAAAGGTGAGAGTGGCGCTTTGCT
CCGATTGGTCGAGAAAAAGCGAGAAAAACGTCATGCCGTTCTCTTCGCCGCAAAATCATC
GGATCATCTCGCGGTCGCCGTTGCGCTGTGCGGTTTCGAGTTTCGAGCTCGCCTTTG
CGGAATCGGATTCACAATCACATCTTCTGCGAGTTTCGAGGAGTGCACACCGGTGGTCGC
ATCCGCAAAGTCCGCGCTTCGAAACCGCTATCGTAATCGCAATCGCTATCGCCAGCGCAA
>EP78708 (+) Dm EG 132E8; range -499 to 100.

TTAATGAACCAAGTGAACCAACCAATGATTTGAAATGGTGTAAGAGAAGAACTTGCT
AGTCGCCGCTGCATAACTGTGTAATGTGGCACACAAACCATTTAGTTAGTGTTAGTGCT
ACTGTACGTGTAATAACAATTAATTGCCTATCCAGACCCAGTAACCACAATTTACAAGG
AAGCACACACCAACGAACTGAAAACCAAGAAAACAACTATTTATACAATTTTGTA
ACAAGAATTTATTAATAAAACAATGAATTTACTTTGTGGCCAGCCTGTTGACTTTTGGA
TAGTAAATTTTCGTTTAAGGCTTAACATTTTGGCACTTACGCTCATTTTGCTCGCTTAAG
CTGCTCTTTCATTTGGCGCCAAACGAATTTGGCGTTGCCAACACTGACCAGCCAGCACAAA
GCGCTACCAGACTGCGCAACCGACTGCTCATCTGGGAACGTGTTTCGCACATATGGGCGCC
CGCGAACCAGTTATTCTGTTACTCATCAGTTCCAGTTTCGTTTCAGCAAAAATTGTGCAAT
AAATTGCGGAAAGTCGATTGTTTATGTGGGAATCGGCAGCGAAAAGCGACTCGGCGGCA
>EP78709 (+) Dm CG7322; range -499 to 100.

ATGAGTTTACTGCTGTAAATATGTTTATTTATTTCTTTATTTCTTTATAAAATGTGC
TTTTCTTAATTGAATTTTTTTCTATTTAAGTTTTGCGTACACACTTATAAGTAAGGCAG
CTAAGATGCAAATGATGATAGTTGCTCTAAAATTGAGAAACAGGTTGGGCTTGAAGAAC
CACCAGGTCATTACGAATCCGATTCTTGGGCTTATCGCTTTATTTGGGCTTATGGCTC
TATTTATAACTGATCGATCAGTTTAGGGGGCCACATAGCCTCGGCCACCCCACTGCCA
CCCCCTGGAGGAGATCCTCTGCAGATCTGCGATCGGAGAACGACCTTAAACGCCCTACCG
CAGAGAGCCAAAGCTCCCGGCTTCGGATTCTCCGAGGAAAGCTCCGGTCTGGCCGGCGAT
TGGTGGCGCCGATAAGGTGTAACAGTATTTCCAGTTTCAGTTTCGCCAGCGATCCTCTTG
CATTTCGGAACGGAATTTCCAAGATTAAAGCAGCTTTCATTATGTGGACAGATCTCGCGGG
CAAGGTGATCTTGGTGACCGGAGCCGGGCGGTATTGGCCAGGCGTTGGTCAAGCAGTT
>EP78710 (+) Dm CG17065; range -499 to 100.

TTTGGCTATAAAAACAAATTGGACGGGGTCGGGGTGGCGCAAGGCCGCGACAACCTGTTT

AAACAGAAGGATAGCAAAAGTTGTACCCGAAATTGAGTTAATTCGGTGGATATTAATT
TGAATCTAATCGATAACGATTGACACGAATCGAATGCCCTCGACCAAAAGCTGATTGATG
CGGCACGTTGGCCAGCTAATCAGTGCTGCCGCTTAATTAGCTATAGAATAGCTATTCTAC
TACTACTTATGCCATATATGTGGCTGTATTATTATTAATCAACAATCATTCTATATTTGA
TGCATAAGAGTGGGATTGCACGCTAATTGACAGTTCGTTTTTAGGTCAAGTCATGTTTAAAC
TACTACTTGGCTACATTATGATGTAGCGAAGCAAATAGCCAAAAGTAGTAACACAGGGC
TATAAAATAGCTTATTTGACAGCACAACATCTGATTGTTGTTGAGTTCGTTTTGTTTTT
GTTTTTCGTTTTCGTTTTAGTTTACGCTCCCCTGTTTATTTGCGAGCCATCGCTC
ATTCGCGCCGCAACGCCAGCCCCGCCCTGCGCTCCGAGCCCCACCAATGGACGTT
>EP78711 (+) Dm CG6426; range -499 to 100.

ATGGACGGTCTGCTGTGGGGCGCCTCCAACTGGTCCCAGTCGGCTATGGCATCAACAAG
TTGCAGATCATGTGCGTCATCGAGGACGACAAGGTGTCCATCGATTGCTGCAGGAGAAG
ATCGAGGAGTTTCGAGGACTTTGTTCACTGTGCGACATTGCTGCCTTCAACAAGATCTAA
ACATCTGAGATTCTTATATTAACAATAAATTGAGCAAAGCGAACTAAGCAAATATAGTT
GTCTTCATATTTAAATAAAATATTTACATGAAAGCTGCAATAAGCCAATCATAATTCAG
ATTGTAAAAACACATCAGTTTTATTGGAATAATGATTGAAATTTTGTAATTTTACCACAA
AAGTATACTTTTATAATCGGTAAAAATCTCTAATCTCTTTAGTTGGCTTGTGGCTCTCT
CAAGTTCTCAGCTTAAGTCTTCGTTTTGAAGCTTTTCGGCGAGCTTTTGTCAACAAAAAA
GCGAAGCTCGTAGCACTTTAGCTCAGTTGATCGGGCAGCTCGATAGAGGTGCGTTGTTT
ACAGATAGTTGTGATACTGTTCACTGACTTTTCAAATTGCATTTGCAACAAATATTTTT
>EP78712 (+) Dm CG12489; range -499 to 100.

ACCATTTACCTGCATTTCACTTCAATGCGCGAGCAGGAGCAGATATTTGAGAACAAAA
GCCCCGTGGCTGAAAACAAATGAGGTTGAATGAAATATACAGTAACATCTGGCTATAACT
AACTTTTCGGCCACCCAGTGAAAAGTCCAGCCATTGATATGCGTATATTAATGCTAAAT
TATTTATAAGATTTAATATGGCTAACAACATAATTACAATATTTCAAAATTAATAAATTAT
AATTAATAAGTAACAGTGCCAAGGAATGTTGCACACTTCAAAAATTTCTCTGATCTAAAT
ATATTTTAGAAGTCTCTTAGTCTAAGTCTAAAATACCAAAATATAAAAATACAAAAGAAA
GCCTCTTAAATCCAAATCAAGAGAAGAGAAATTTGTTCTCTTTAATATAACTCTCTTTG
ATGGGCACGTAAGGGAGAGTTCAAGAGAGCGCGCAATACGAATTGTTACTACTTAAGCAA
CACGCAGCGCTCACATTTATTCATTCTATGTTTGGCAGCTCTGTGTTAAACACCGAATAC
TCTGAAACAAAAACAACAAGGATATCCGTGAAATCGCCGGGAAAAAAATATATCACGAAG
>EP78713 (+) Dm CG3608; range -499 to 100.

TTGTTTCGTCACATTGATCTCCATTTGGCGACGGGCTGCGAAAAAGAGATTTAAATCGTA
GTGGACAAGGAAACCTCAGAGAATCTCTTTAAAAACGGAAGTTAGCAACTATATCTTTTA
AATATACGTCTAAATCGCTGCGTTCTGTTAACCGATACCTGCTAATATTGGTATTCCTTT
ATATATAGCGTAACATGTTCTGTTAACCGTTAAATGTTACCCGCTTTTAAAGCAGAAAAA
GCAACCAGCCTTCCACAGGGGGTGGGTCTCACTAATGACTTTCAACATACTGTTGAG
TCGTTCTTTATTTTAAACGACATTTATAATAACGTTTTTCATGCTGATTAAAAAGCCGTT
ATATTATGGTAAGAGCACTCAACCCCTTATGCCAAAACAACACGCCCTTGAGCTCTGC
TATTGGGTCACTGCTCTGACGCCAGGCCAACAGCTGATTGCGCCAACTAAGGCCACCAC
AGAAGTGGAAGCGCATCAATTTAATCACAGACTTTGGAATTTCAACACCTACGCGCCGTT
GAACTCCGGCGCTATCTGTAGTGACCATATCGAGTAAGTGAAACTATTGGCAGTCATTC
>EP78714 (+) Dm CG10591; range -499 to 100.

GTGGAAACTGTAAAGGCGCTTGGGATAATCCCTGAAGAGTTTCCGTTTTGATGAAAAGGC
AATTCAAAAATCTGGGTGTCACTTTGATGGGTATCGCCACATTTGGTCACATAAACTCT
ACAATCTGATCACTGTTTATGACCTGATAGACAGTTGATGTATTTTGAAGTTGTCCCGC
TGATTGCGGCTGGCTGGCCAAGAATCAAACGAGAACCCTGCTGACCCAGTTTAAAGGCT
TGTCGTCGGGCTAATGATGTTGCTGTATATTTGTTGCATAAATTATCATAATTGTCAC
TGCGCCGACTGGGTGATGGCATTTTTCCCTTTGATCGCTTAGCATTTCCCTTTTCGATGGT
GGGTTAAGAACAGTTATAGAGATGCGGGAAATGTGTTTTCTGTTTCGATCTAGAGATTAT
TTGTATATTTTCTATGCATATTAAAACGTAGCTCTCGAGTTTTTTCAGCTTATAAAAGCCG
AATTCGAATTTTGGATCTCAGTCCGATCTGAAGAGAAATCCGAAGTACATCATGAGTTTT
TTGGGACTCTTGGCTTTTCTGGTTGCTGGTAAGTTTATAAAACATTTATAAATTTTTCTA
>EP78715 (+) Dm CG6463; range -499 to 100.

CAATGTTCTAATATCAGCCTTTACTGTGGACAGAGATACTGTGCCTGCTTTACCCGCCAA
TACAACATAGTTTAACTTGTATTTTAAATAGACTTTAGTATTATGAACACACAGATGCAT
CTTTAGATAAATACTCACATTGTTCAAACCTTGTTAAATTTCACTCAGCGACTCATTTTTTC
TAAACGCAACAATGAATTGTGATAAATAAAATCCACGAGCATTTCTCGCTTATTTAAAT
AACTGAAATGCTGTTTTTCTTACTTTTGGGCGTTTTAAGTAAGAAATGAATAAACTTTCT
TAAATGTTATAAGATACGTTACATTAATATTAATACTTATAAACCAGTTGTTCTTTGG
ATATTTCTTTGTTATTAATATTAATTTCTAATAACTCAAATGCAATTTCTATTTATACTATT
TAAATCAATTTTTGGCGCCAACTATCGTTTAGTTGCGATAGTTTACGTAGTGGCATTTC
ACAGCACTGTGTTATAGCCTCGACACTTCACAGCACTGGGCAACAGCTGTTACAAAATAA
AGTCGTGCGGAAAATTAAGCATTTTTCGGCTAAAAGTCTATTGCAAACATGGCCAAGATCA
>EP78716 (+) Dm BCDNA RE63284; range -499 to 100.

GAATAGAAATTGTTTAATTTTGTATTTTATGCTAAGCCACAGGAAGATATCTAAAACA
CCATAAATACTCTGAGCTCCGTTTTGGATTTTGTGTACACGTGAAAGTTTTATACGAAT
TATGCCACAAATGAAAGAAAAATAATCTTTTTGTACTATAACTAATTTATGTAATTGACA
ATTTATAAATAAAAAATGTTAAAAATTATATAATTTGTTATAATATAAATTTATTTAAAT
ATTATTTTAGATGTGCTTTTAGTTTAAAGATAAAAAATAACTTTTTCGGGGAGTAGGTA
ATATTTTTAAATTACGAACATATAACAAATACTTTTTTATTATTACGAAAAATAAAAA
TGTTGAAATGCTTAAAAATTATACAAATAATTAGAAATAGGAAAATTTATTACGAGTACC
GTTAAGTGGTTTAAAGTCAGGATAGCTGTAGTCCAAGACGCGAACCCACATATTTTATG
CCCAAACATTTTGGATATAGTTCAGCTCTGGTCCCATTTAATCCTGGCAGCGAAACAAAA
CCCGACAAATTGATACAAATTTACGGTTAATCGTTAATAATTTTCGGGTAAAAAATCAAAA
>EP78717 (+) Dm CG15592; range -499 to 100.

TTCACAAAGCTTTCCTTAAAGCGACACGTAATGCAAGAAAAATCAATATTTAAGGGCTG
GCCGATCTGTCTATTGGCCCCCTGAACAATTGGCCTTCTCCTTGTGGCAGGCAAACAGCT
AACTGCCGCCGAAGTGTTGACAAACAACAACCTGCCAATCCGACGAACCTCTGCCAGCGT
AAACGGCGACCGCGCCACCGCGTCCACTTCGGCGCACCTGTCCAGTTGTGCTGCAGCGC
CTTGATGGCCGGCCACCAAGACTGTGCGACTCCGAGTGCGACTTCGGCTGCAACCTGGC
CAGGTTCTGTTGCTGGGTTGTTTATTAAATTCTAAGCTCGGCTACTGTGTGCGATGGGCC
AAGCGGGGCGAGTCGGGGGGCTCAGACCACTTGCAGGCGCTAAAGCGTCAACGTTGTGCT
TGTCGTCGCTGTGCGCAACGCTGCCGCCGCTCTGCTGGCCGGGAATAAACTCGATCCG
CGTGCGTCTTCTAGCCACAGTTTACCGGTTGCCTTCTGACCGACAGATCGAACACGCCAA
TCGAGCGCAGTGCACTCAATCAAGTGAACACACACACGCATCCCCGAATCGCCAGGAA
>EP78718 (+) Dm CG8861; range -499 to 100.

GGTGTTCATCAAACTGTAGTTGAAATTGGCGCTAGGTTCTGGTATTCATCAAACTGTAAT
TAAAATGATTGTACGCATTTATAATTTAACGTAATATTAATTGTTAGGGACGAATTGAA
TTTTGATTTATTTTTAAATTATTTTTTACTTTTTACGAGTACATTAATAGTAAGAACAAA
AGAATTAAGCGGCTTCCAACCTGGATTGCTATGTACTTTCTGTGCAATGAAAACCATACA
TTTCATCACCTTATTACGGTTTTTCGATGGTCTAGGGATGGCTGCAACTCCCTCGACTAC
AAATATTTGTGCTGCCGACCTTCATTAGCACTGAAATGAAGAAGTAAACAGTTTGAGTAG
CACTGGGTCACTGGACCAATACGAAGTCACCCGACCCGAATCGAATCGCTCATCCGCCCC
GTCGGCTGCTGCTGCTGCTGCGGATGCTTCTTCATGCTGATGGTTCTACGGCCGCGGTTT
CAACTTCTGGCACTGCAGTCAACATTTTCAACTCAGACGGAACGCACGGTTTGGCGGACG
CAGTTTGAAATAATTCAAAAGTTTGTGTCCGTTAGTTTTGTGTTTGAATTGAGAGTGTA
>EP78719 (+) Dm CG4830; range -499 to 100.

CCAAATTTAGTTGCCCAAAAAAATAAACTACGGGGATTTTTAGCATTGATTTCC
ATTAATATTTATATCTACATAAAGCAGAGACTGAAGGGCTTGTGTTTAAAAATAAATAGC
ATCTAATGACAAATGATTTGTTTTCTGTCTGATCATTACGTAAGTATCGCCGATAAGGGGG
AAAACACAACCCGGAACGAAGATAAAACCCCTCTGGCAATTAGGGATGGGGCTGTTCTCAT
TGACCGGCAAGTGGCCAAAAGTTAATAGCTCTTATCAGGACTAAGGACACCTTCAATTA
AAGAACCACACGCGCCATCTGATTAGTTTCAATAAATATATGCATACATGCCAGTCGG
GTGGTCAACTTTGGTCAATGCCTTTTATCTTTCATTGATACCTACCTTGCACTTAACCTA
GGCCATGCTTATCATCTGCAGATAAGCTCTTGGGGATTCTGTGCTTTATAAGTAGCCCT
CCGAGCGAATAGCTCCACAGATAGTGGTGCATCTTTCGGGTGTGCATTCAACCTTTATTG
CAGTAAAAATGTCCAAGTTACCTTGAGCTACGATGCGGAGAACAAAGATCTGGAAGGGTA
>EP78720 (+) Dm EG 100G10; range -499 to 100.

CCACAGCTTGCAGGCTGTGCAGGTTCTGCAATTTTGTGCTCTCCGTGGTGGGCACGTCCTT
CTGGCCCTCTCCCGGCGTGGAGGTAAGGAAATCGTCTGAAATCCTTATCAGCGCGCCCGG
TATCTGATTGGGTGTGAATAGGACATGGGATTGCGACGCCTTGACGCGGTTACATGAAA
TCAACCAAATGGGCTTAGGATTGACTGACCTGGCTGGCGACTGGTTCACATCCTACCTGT
ACGCCACTATTGTTCAACTGTGCTTATCCTTTTCGTCGCGGAATCTTTAACTGCTGTGCA
GAGCTCTCGAATGCCATCGTACTGCGCAATTTTCGCGTCTGTTGCCGCGTTACCTATGTGGC
GGTAATAATCGTCTATCGTTTTTCTAATCCTGGCTAGTGATGAAAAACATCGGAGAAAAAC
TTTTGAGCGTATGGGATGTTAGCTATTCCTCCGCCAAATTTTGTGGTCACACTTCGAGCT
CTAGTGCTTACTGTTCTGTTTTTATCGATATCAGCTGCGCGTGTATCGGCCTATCGAGC
TGCAAACGAATAAATAAATAAAAAATATAAATAAATCAATTGAAAGTGATATTATAAAAGC
>EP78721 (+) Dm CG9036; range -499 to 100.

CTAATTCCATTACAAATAAGTGTCTGCTATTACACGAGCGGCAACAAATGTTTATGGC
CTGCAGCCGAGGAGCGCGGTACTCCCTCGTCTCATTTGTTTGAATGTTTGGCACTCATC
TTCGCTCATTTGCCGAACCCGACCGCAGATACGAAGTCAGCATCGTCAAAATGTTTGGCG
CTTTAATTTCCAAAGTAACAGTTTACTATAACAAATCCACCTCAAGCGATTTCCCTCTT
TTCTCGGCAGCACACCAGAGAGCGATTTGCTCTTCTCAGCTCCGTGTGCTTTGCATTAT
TTTGTAATGTTTTTCAAGTGCTCGTTCGGCACTGTGGCACTCATTTTTTCTCGACTAAC
CGAAAATTGAAATAACGAATAAGCTGAACAAAAACACACATTTTGGCGCGCAATTT
TTTGAAGCCGACGTCGACGCCCGCGGTAGCTGCTGCTCATTTCAAATATAAATACTGG
CCTACGAAATTGTTTCAGTATCAATCAAGTCAACCATCTTCGCAAGAAGAACACAGCC
AACAGAGCAAAGTTAACAAAAACCGTTTTCTGTGTGTGCCAAAATCCCAACAAGTGACAA

>EP78722 (+) Dm CG5096; range -499 to 100.

GCAAGTTAAGTTAGTTTCTAAGATAAGCATTCCATAACAATATCTACAACATAAGCCAAA
GAAATGTTTGTAAAGCCCTTTATCGAGTCTTGTATTTTGTGCAATTATGTTTAATTT
AAGCAGTTAATTCAAGGTGAAATAAGGTATTTGGGTATAAATGGCTTAGTCACTTCCAAT
ACTCTTATAGCCCTTTCCCGTATCTTATCATGGATTTAATCAGCGTATAGTGTCTACAC
TATGCACAAAGGGTACTAGTGTGGATATAAACCAAAATAATTGAGAATTAATATTGTAAA
AAGATTCACCTTGCTTAAAATATGTGAATTTTGGTTTTAATCTTATTGAATTTAATTTTAA
CGCATTTTCAAAGTGAATGACCCACAAAAGCGACTATTTTGTGGATAGTGTATCAATG
CTTTTGAAGAGATAAGATAAGATAAATCGTGAAATATTAGGTGAATAATATGTGGGGTTT
TGTTTCATTGTGCTCTTGTAGTTATGTACAGTTAATCGATCGGTGAACACGCCTATAGTT
CAATTTTAGTTGGCAAAAGAATTTTGAGAACTATGAATTTAACAAAATCAGCTACGTTAG

>EP78724 (+) Dm CG18179; range -499 to 100.

AAAAGGATGCGGGCCACCGTCAGGTGATCATTGTGCTCCGCCAGCACGATCAGCAGATTG
ACGCACAGCTGTTTGCAATGCTCCCGCACAAATGATGCGCGTGTGGTCCAGTCCCAGGAAG
AGGATGTGCAGCATCAGGGGCAAGTGAAGGGTCCAGTCGATGCCCGGAATGCCGTCCACT
ACAATGTCGGTGAGCAGCATAACGGCCACATTGCATCTGCAAGTGTTATATGTATATAGT
ATGACAACATTAATGGAGGAATCAGAAAACTTCGACGCGTTAAGTAAATTTAGGCAAT
ATGGGTTTAAAAATAAAAAATGTTTCTTTGTGAAAATGTATTACCATTGACAAAGTATA
TCTGAGCTAATACCCACACTCATTAAGTGTGAAAGCACTGATAACCCACGTTGGACTGG
AGACTAATTACCCCCAGCCGTAATAACACATGCAACCATTCTTCTATAAAAAAGCAAAA
ACCATTGCGATATAGATTTAATTTTAAGCATGTCTAAAAAGCTGGTATTGTTGCTATTGT
TTGTTGCCACTGTCTGTGCCACAGGAATCGCAATCGTACGGCTCATCATGGTGGTGGTC

>EP78725 (+) Dm UGT86DA; range -499 to 100.

AATACAAATAATTTTTTACATAATACATCAAACCTATTATTAATTTTTATGGTGGCTTAAT
AATTATCTCAAATTTTGATCTCAAACAAAAATTCGAACGTGCATTTTCTAAAATACCTC
GCATAGTTTTCTTTATCAACAACAAATATTGTTTGAATCAGAATTCTACACCAACCATGC
ATCAGAAAGAGAACCAAAGTGAAAAACAAAACAAAATATTGCTCCCCACCAAAAAAGCCG
GTGTGAAAACAAAGCGAAGGAGAATCCGAGAATAAAACCTATCCAAAACCTGATAATATAT
GCGAGAGAGCCTCTCCACTTTGTAGAGATATTGACACTCGATCGTGAATAGCGTACAAAA
TATTGAGATTTGGCACTGTAAACGATGACGAAGAAGAGAGGGCGTGAGAATAGAAGAGCAG
AGCAGAGCACACTCTCAAATCTGATTGGGACCTAACCAACCACTTATAATTACCTCAT
CGCAGTCCCATGTAACTCAGTTTACTGCGAGGCGTCGAGGCGTTTCGTAGCCCCATTTA
GTATCAGTTTACGGTCGTTGGTCTGTTAAGAACGCATTTCACAACTGGCAACAATTAAGC
>EP78726 (+) Dm LMG; range -499 to 100.

ATTGCTGATTAAAGATCTGACCTGGGTTCCGACCTGTCTATTGCCGAAAATTGTAATTGAT
GGCCCAGCGGCTTCGAGAACGTGGCCTTGATATTGAAAATACTACTGTTCAACTATTACT
TATCCGACAAGGAATGACTTATTTTAATACTATAGCAGAAAGGTTTTTAATTCACCTGATTG
TTTCAAATAGTACTTTATCTATGATTTCTTATAAACAACCAAAAGTTGAATACTCCCGCC
AAGGATCGATATCTTTTTAAAGTACGGTAGATGTATATATAAATCGATAGCTCTATGAA
CTGCTTACAAATGCCCATGTCTATGATCAATAAATATCACTAAGAACACATCAAATGTAC
TTTGTTACAATATTCAATAATCAATACTATACTAATATACAATAAATAAAAAATATATCGT
TTACTATAACAGGTCATCCCAAGTCGCACTGCTTGTCCGACGGCTTAACCTCATCTACAC
AGCGTCCATCTCTAAGTCCAATCGGCCAATCGATAATCGGACCTATCGACCTATTTTCAG
CAGCCTAACTAAAGAAAAAGGCAATATTTTGCAAAAAACATTCGAAACGGTCGAAAAA

>EP78727 (+) Dm CG13463; range -499 to 100.

GTCGTGCGTAAACATTTGACTGACGGAACCTGGAGAACGTATAAAGATTACAGTGAAACG
TGGCTAACGTCATACTTTTATATACAATATATTGTATAACCTAAGGAAAGCAAACACAGC
ATGTTATAATCCATAGTTAACTTGCTTATGAAAATGTCTATATCAAATTAATGACTCCTT
TTTATTTCTTTGTAGAATAACCACTGTTCCACCTACAATTGTTTACAAATTTTGGGAATG
GCCCTCCATTTCTTATTTTCTGATTATAGCACATTAGCTTGTTTTGTCTCCGCTTACTC
GAAACTTCTTAATTTTACTCACATGTTCCGGTGTCTGATTTGTGGTAAGCCAAAAACAAT
AACTACTTCTAACTAAATATATCGTAGGCCATGATGGAACCTTGACGATTGTTAGCATAA
TGTAATCATGTACAAATAAATCGATCGATTTGGACAACCTTTTAAAGATATAAAAAACAAA
GATAAGCTAATTGAAAATCATAGTCTCAGTTGCACTCAGCCTGTATACTTTGTATAATCA
TGCAATCCATAGCATTTGCTCTTCTGATCTTTGCCGGTATCCTTGCTATGGCAATGCAG

>EP78728 (+) Dm CG7016; range -499 to 100.

AGATGGTCAGTATAACAACGGACATCTCATACCCCAACCATATATAAACTTCCATATAAA
TACACACTGCTGAGATCGTATGAGTGTACTTCAAATAAGAATTTGAATTAATTAATAATAT
AACACTAACATACAGAGATCTGTAAAGACTGGACGGATACTACTAGTAAGTCCCTTCCAT
TTATTCTCTATTATGGATTTTTCATCACTTGAAGTATCTCTTTCATCGCCTGTATCTCT
TATTCTTTTATACTTCAATCTGTATACTACATACTATATATGTATCTCAATTTTGTGTTT
CAAGCTTCAGGTGTTTGTGTTACTTTTCTGCTGATTATTATTATGATCATCTCTCTGAGAC
CTATTTTGGAGAGCGGTTAAGATCTCTCTGGTTGCGGACACTGATTTTTCATCATGCTCTC
ACTGATCGCCGGACAGGTTTTCAATGTTTAATCAAGCATCAACGATTATCGCATAGGCGG
AGCGTAAAAGTTCCCCCTCAGTTAGAGTCCGCCTTTTGTGGTGTCACTGCTCGAACACC

CGAACATGACGCGATCTTCGCCAGCTTGGTGTGCTGGCCAGGCCTGGCTCGTCTGGCTTT
>EP78729 (+) Dm CG12324; range -499 to 100.

TTATTCTTTTTTGTCTGTGAGATCATTTGCAATGTTTCCTTGTGTCGCACTTCCGCTCGT
TTTTGCTTGAATGTCCGCTTTCGCCCTTGGTTTCCACTCGCTTCTTCGCAGGACTCCC
CGTTCCATTGCGCTTCGAAGTTCCTGCTCGGCATCCAAGTACGAAGGTATGTGGATCTGC
CGTATCATTGATTCCGCACCATAAAGTGATCAAAGGGGTGCTGACCACCATTGCGATCG
ATGAAAACGTCATGGGTGAGCTCGCAGGTCATGTGTCCATCCGCTACATCGATGATTCCG
GCCACAGAGGTCTCGTTGTGCAGATCGATCAGTACGGAATGACCCTGCAGCATCACGGGC
CAACAATTTAAGGTGTTGGACACCAAACTACTTCTCCCGCCTAACTGCTGCATTATA
TCGATATGTTTAAAAATAAGTGTGCTTGGACACGGAGCTGCCAACTCGCTTCATAA
GTAATTTGACATTTTCATTAATTAGTTTTGAACTACATCTAAGAGAAGTACTTACGGAAG
TTTTCAAGTAAAGGTTTTTCCCTTTTTCACGTTTGCCTGACGGTCTGTAAACAGTTT

>EP78730 (+) Dm BCDNA GH02603; range -499 to 100.

TTGATTATGGTTATCACAACCTTATGATTTTTACATTTTATATATATACCTTTTTATTC
GGAGGTTTTAAAAACATTCAAGTTCACATTTGCACTTGAGCAGCGTTTTTGTAAATTTCA
ATTTTGTCTTACTAATTAGCAATAATTTGGAATTGGAACCTTATTAATTGGCTTATCT
TATATTAACAACCTTATTCACATTTTATAGAACAATAATTGGTAGCGAATGAGGTGCGAA
AATGAGTGGGTAAAACCCAAAACAGGTTGTTTCGAGCTGCGTAGAAATGATGTTTTATTT
TCTTTATTTTTTCCACCCAGTTGTTTACAATTTAGCTGGGGGCTCTTGAGAGTCGGGGG
TTTTCTTCGCCATTTGATTATGCTCAGGAAATTTAATTGCTGGAGGTCGTCGGCACAGAG
AACTCGTTTAGAACCCACAGTCATCGCGTCAAGGTCGAAAGCTATATAAAGAGCTAGG
CGGGGGATCAGCTCGACTATAGTAAGAACTTTAGGTGAACAAGACAACGGAGACGGAACG
ATGCGTATTTACCACCTGAATCTATTAGTGCTAAGTGCCGGCCTACTGGTCTGCTGGCC
>EP78731 (+) Dm CG2049; range -499 to 100.

ATAATAAGCAACTTGAGAGCATAAGAATTTGTTTTAGACTTACAATTTCCCACTTATTTG
AAAAGGAACCAATATGATCGACGCGAAATAAAGCTAGAAAGTACAATTTTAACTCTTT
AAATAGACGCGCTTCTGGCGAATGACAGCGAAAAGATCAGAGGAAAGTAAAGGGGATATG
TCTTGGGAGAATTGGGTCTTTAGGAGGCACCCGAAAGTGCGCCACTTCACGTGCCAATGT
TCGGGAAATGTTTTATTTTTCTCACCCACGCCACCTTTGTTTTGCCCTCCCTCTCAC
GTTGCAACGTCAGTGTTCCCATTTCCATTTCCATTTTCATTTTCATCGAAGATGTTTGT
CCCTGTGTGTTGCTTACCTTTGTATCTATGTGTGCCAGCTGTGTACTCATCGTTATG
TGCGCTGTTGTACATTTTCTTTGCGTGGTCATTTTTAGACCCAAAACAACGACGCAA
ATGCTTGGCCTCTGGTCACTTTGGCACTTGTTCGCTTCAGTTGGTCGGCGCGGTGT
TGGCCATCCCGCTTAAGTGTGCTATCCGTATCGGTATCGCAATGTAGAAAAGTTAT
>EP78732 (+) Dm CG6447; range -499 to 100.

GGAGGAGTTGCCAACGCCATCAACTTCGCTCCGCTGCCCGTGTTCCCGCTCGTCTGT
GGCCCCAACTACTCCCCACCAGCCGCCACGAGCAACTCCTACCTGCCCGCCAACATC
CTGCGTCGCCTGCGCATCCGTTAAGGACCGAACGAAAACCGACAGTTGTTAAATGTGTTG
TATAAATGTAATTGAATAAAAAACGAAAATCGATAAAAAACAAATACGCTTAGATTTATAT
ATCTATTTTTAATCTAGATCTTCGAAGTTTCTGACTTTGTATCGGCCATTGCAATTTGT
TTGTTTTTTAATAGCTTTTCTTATAATAACATTTATGCAAAGCTGAATTGCTCTGCGAG
CCCGAACAAAAGCCGTTTCGCTGCCTACTTTGTAGGCGGACAAAACATTTAGCAGCATCAG
CGCTTTGTCTTCGAAAAACTGCGCCGCCAGCTTCGAAGTTGGGTAGTATATATAGTTAC
CGCCGCCGTGGTCATAGGCAGAAGCAATTTGTGCTCCGAACCAAGAGAACCTCAAACCCA
AACTAAAGATGCGCGCTTCATCGTAAGTGGTGTAGCCAGGACTTAAGACGAATTCACA
>EP78734 (+) Dm ARR2; range -499 to 100.

GCTAGTTGTAAGAAATGCCAATTTCAATTATACCTCTCACATTAATCAATATATCGAC
GTTTGATACATAACAAAATTAACAAATCTAAGGTTTCTCTTGTGCTGCCACTGATGTTT
GGCTAAGAGAGAAACAAACTGGCCGATTGATAACAACCCGGTAACACCAATCGGATGCT
AATCCAGCTCCAACCTACCATGCTCAATTATTCAACAGTTGGCCAAATGACCTCGTACTA
GGTCGGAAAAATCGGAAAAAGATACTTGACATTAGCCAATTTGCTCGGGCAAGTGGCAAC
TGCGCAGAAAAATAGAACAAACCCCTGGAAGCAGCTTGTTCAGTTCCTTAGTTCTTA
TGGTTCTATCTTATTGTCGTGTTGGACAAGCCAACAACAAGTGCATAACGAGCAAAATCC
AGTTAGTGGCCAGAATGAAGACCCACGGACAGGGCCAGGGCAAAGGTATATAAGCAGGTT
GTACGGCACTTGGGTTTCGATTTTCTCCGCCGAACGGAAAACTCTATAACGCGCATCG
CCCGACTTAGCCTCGAATTGCCAGTTGCATTTGCCAGGAATCAAAGAAATCCACTAATC
>EP78735 (+) Dm ARR1; range -499 to 100.

TTATTAAGTACCTCGTTGTTATAACTAGTAGTTGTCTCCAGTTAACATAAAGCTATTATA
AATGTCATAATAACAACCGCTTATCAGTACTTAGCCGACGAGTGCTTAGGGCTCAATTA
AATTAACAACAATTACGTAATGGAAGAACAACCAACCCACCGTAATGTTTGGGTTTA
AATACGTCATCTAGGCGGAAAAACAACAAACCAAAATACGCATACTAAATCGATTTCTCG
AGCTATTTCTGTACATTACCTGTCTGCTGCTAATACGCCGTGTTGCTCGCGCGTTA
TTAATGTTTGAGCCATCGATGTCGATGTCGTGCTGCAATGTCAATATCAAAGACACTGC
GCACAGCAAGTTGCCGAAGCCGTAGTAGTTTACCGCCGTGCAATTGCTGAATTTCTGCT
GTGCGGCTAATTGAATTTAGAGGGGCGACAGGTGCCACAATGCCAGGTATAAATGCCGGA

TTGCCAAAGAGCGCTAATTAATAGCCTAGTGGACCACGCAACGCGGCGTATACCATCGAG
AACGAGCGCGAAACGTTAAAGGCACATCCAAAGTTTAAACTATTTCCGCAGAGATTTTGA
>EP78736 (+) Dm TUBA84B; range -499 to 100.

TCCTGACATCATTTTCTTAAACCTGCTTTGTTTTTACATTTCTATTTAATAAATCC
TATTTGAATAAAAAACAAAAAAGTTTAGATGTTAAGATATTAACATACCTTTGCTC
CAAAGGGAGAGGGGAAGTTATGGAGTTAATTAATTTGCTGTTGGAAATCAATATGGAGTC
AGAAATATAATGATTTACTAAACCTTATTGAATCGGTAAACGATGCGAATTTATATTA
TAGCTTTTATGAAACATTCAACAAAAATATTATTAATGTTGGCCCACTTAGCAACCGGT
TAGGTCTACCGGTTGGGCAAGCAAAGATTCACGCCCTGGTTCGAGTCCCAACTAGTCCTG
CAAAATACCGCAGCAAGTTTTAGAGAGACCAAGTGCCATTACCTCTCCCACTTCAGTTAT
CGGTTATGCGGCGTTTAAAGTCGACAGCTTGCCGCTCTAGCTCCGGTGCCATATAAAGC
AGCCCCGCTTTCCACATTTATATTGTTTTACGTTTGTCAAGCCTCATAGCCGGCAGTTC
GAACGTATACGCTCTCTGAGTCAGACCTCGAAATCGTAGCTCTACACAATTCTGTGAATT
>EP78737 (+) Dm RPL17A; range -499 to 100.

AACTAAAAATATCTGAAACTTTGTTTCAGTCCATTGCTGTGAGGAACCTTTGTCTCTTAC
CCTTTTGGCACAACGGGAAGTTTAAAGTTTATTATTATTATTAAGTTTATCAATGTCAAAG
AGTAAAGTTTTTAAATATTCAAATCATTTAATGTCATCTACTATAAGATATTCAAAAAA
AATTTTACTTAAATATTGTGGAATAAATATAGCGATAGAGTAAAAAATGGCCCCATCCCT
TTCTAGCACACGTAATTTCTTTTAAAGAAAAGTTGCTGATTAAGTTTTTGAATTTCCG
GTGTGAACACGACATCTGATTGGCCAGACCTGCCAATTGTTGAGGTGGGTGTAAACT
CCGATGGTATGAGTACCTGCTAGGATTTTAGCAAAGTTCGAACCAATCCGTGCTCATT
TTGGTTATAATTAGGTTATTTTTCGATATTTTGGAGTATATTTCTACGATAGATCGGCG
GTCACATCGTATTTCCCTCCTTTTCGTTTTCGTTTCCGGCGAAGTAAGTATAATAAATC
TCCACGTTTTTTTTAATGCTAATAATTGAAACATCTCATTGGCAAACCTAGCGAATAATCT
>EP78738 (+) Dm BBC1; range -499 to 100.

CTCGTACTTGAGTTCGCCAATGGCCACGGCGACGCTGGTACCCCTTCGCTCATCTTGT
TTCTGTGGGGGATTGGGATCTTCTTGTGTTTTGAATTAGATTGACAAACGATTGCTGT
GCCCAATGCGTGTATTAGCGCGCAATTTCTCGATTATAGATAGACGGTTCAATAGTCAAT
AGTTTTTTATCTGTATCAGAAGTACAGTTTCAGAGTTGCCACGCGACACGCCGTCAATCGA
TAAGGCAATAAAACGTTTGCTAAATGCTTCAAATGCACTCTCATTTATTTGAGATTATTT
TACAGACTGCTCAAATATGAGAGTCACCGCTTTTTAATTTCAATACGCTGACTGTCGTA
AAAAATGCGATTGTGTTGAGTATCTCGCTAACACTGATTGCATCACCATCGATAGCTGG
GGAAATTTCTCGCTCGGCCGGGGAATTTCTAGGGAAATTTTCGCTTGGCCTACGACG
TGAAGTTGGTTGCGATTTCCTTTTAAATTCGTTGTTGGGAAGAAAAGGTGTGTAAATTC
GTGAGCGTCACGAAATTCAATGAAAATAAAAGATAAACGAAATGCAAATCGAGCCATCGA
>EP78739 (+) Dm R37A; range -499 to 100.

CAAATCATACTTCAAATTTGGCGGGCAATAATAAGCGCCATCTATTGGCCTTTTGAAGGA
ACAGCTGATTTAACATATGGTGTGCTGTTAAATGCCAATTGCCAAGTGCTGTTGTGC
TATCGAAATGGCAGCCGATAGTAGTGTGTTAGGCGCAAGTCCGCTGTTATGAGAAATTT
ATGTAATTGGTATTTTTGATACGAGGCTGTTAATTTTGATAACTGTTGTAATAGAAACA
ATAATAGGTTCAATAATCGGATACATTATGTGTTCTACAATTACGTAAAGTGGCTGTAC
ATTAATGCAGTGTTTTTGTAGTTCAGTATATAATTAATTTCTATCCGTCTGGCAACTC
TGCGGCTGCTAGGCCACCAATGGCTACACCATAAATACCAACTTTCGGTATTTAAGCAA
CCCTGCGGACAAAACTATCGATACTCGCGCAACGCGGCCACACTAATCTCTGCTACCA
CCAGCGTCTCTTCTTCTTCCCTTTTCTTTTTGCTGCGCTTCCGGAGAAGTCGTCTTTGCT
AGAAGCCACGTGCTAAATTTGTAGCTTGCAAGTTTCGTTTCGATTCTTAAACCGTTTCGCCA
>EP78740 (+) Dm CG3752; range -499 to 100.

GTTTCCCTATTGAAGAGATTATCTATCTATCTCGCTCTGACTTTATCAGCACTTATCAGT
GTTGGCAATGAGCTTTTAACTACTTTATGCCTATCTACTTTTTCTTAAACCATCCCA
TACTAATAACTACATAATACCTCAATCATATACTTATTATGATTTTGCTCCACCTAATTA
ATTATATAAAACAAGGTATACTATGTGGAATTTCTTTAAGTTATAAAGCCAGCTGTGTG
TATCAGTTCAAACCGTTAGGTCAAAAAATTTATTTATTTAATTTAAAAAATAATTA
TTAAATTTTCGGTCTAAATTTGTGTTATTGTTCTTTATATGGCTCCTAACAGTTAAAAATC
TTATAGATAAGGGCGACCATATGTAGCTATTTTGGCTATGTTCTTCTGACAGCACTTGT
GGCGTGGCGGAGTTCCCTCTAGACACTTAAATATTCTAAGTAGTTTTTCGCGAGCGGC
AAAGCTACGAAATCGTTTCAGTTGTCCGTGACCGCTGAACAATTAAGACGCAGTTCTAG
TTTTGCGCTCTCAGTACTTTTCTAGTTTTTCTATCCGAAAAGTATAAAAAATAATCT
>EP78741 (+) Dm TPS1_1; range -499 to 100.

TGAGCCCGAAGCGTAAACAACAGCATCGATTTGTTGACTTATCGCATCGAGAGACAACAT
CGATGAGATGGAATGGGATGGGTGGTGGTTAGGGGGAGGAGGCGGAGGATGATGAGGTTG
TGGCCGTCGTTGCCGTGAAATGTTCCCGAGCTGATAATACCAGGCACGGCCAGTTAATTC
TAGAAAACTATCTGCGGTGTGAAACTGCGGCACCGATAGTTTCAGATCACATCCCCATGA
CATCTAACCCCTTCAAGGATCAATTGGGTGAACACTTGGCCACTAGGCCAGGACAGAAGC
GGTAGGTATTCTCTGCGCAGGTTTCGATTCTCTCACATCCGCTGGGAAAAATGTAATCA
CGCGGAGAGGAGCAGATGCCGGACGATTTTCTGATAAGCCGGAGAGTGGACTGTGGAACC

CATGATGGAATGGGTGGAGGGGGTTGGCTGGCTGGCATTAAATTTTTAGCAGAAAAGTGCG
ACTTGATCGCCTAGTTGGCTTAGTGCTTGTCTATTTTCGCGAGGGTACGGAGCTGCTGGC
TCTCGCGACCATCGAACTAACGTAATCGACTCACCGCCAATCAGCCAGGAAAATTGCCT
>EP78742 (+) Dm TPS1_2; range -499 to 100.
GTAAATTCTAGAAAATCTGCGGTGTGTAAGTGGCGACCGATAGTTCAGATCACAT
CCCCATGACATCTAACCCCTCAAGGATCAATTGGGTGAACACTTGGCCACTAGGCCAGG
ACAGAAGCGGTAGGTATTCTCTGCGCAGGTTTCGATTCTCTCACATCCGCTGGGAAAAA
TGTAATCAGCGCGAGAGGAGCAGATGCCGACGATTTTCTGATAAGCCGAGAGTGGACT
GTGGAACCCATGATGGAATGGGTGGAGGGGGTTGGCTGGCTGGCATTAAATTTTTAGCAGA
AAAGTGCGACTTGATCGCCTAGTTGGCTTAGTGCTTGTCTATTTTCGCGAGGGTACGGAG
CTGCTGGCTCTCGCGACCATCGAACTAACGTAATCGACTCACCGCCAATCAGCCAGGAA
AATTGCCTGCCATTTCCACGTAGAATTGCATCTGAGAGTAGCTTTGATAAGAAGGCAGTG
ATTGACTTGGCTTCGAGCAGTCTTCAGTCATCGATCAGCGCATCTCGAACCAAAATTCGGC
AACGGTCGCTCTCGCTTCGGAAGAACGGACTCGTTCATTGATAAGCCTGGATTGAACTA
>EP78743 (+) Dm TPS1_3; range -499 to 100.
CCTTCAAGGATCAATTGGGTGAACACTTGGCCACTAGGCCAGGACAGAAGCGGTAGGTAT
TCTCTGCGCAGGTTTCGATTCTCTCACATCCGCTGGGAAAAATGTAATCAGCGCGAGAG
GAGCAGATGCCCGACGATTTTCTGATAAGCCGAGAGTGGACTGTGGAACCCATGATGGA
ATGGGTGGAGGGGGTTGGCTGGCTGGCATTAAATTTTTAGCAGAAAAGTGCGACTTGATCG
CCTAGTTGGCTTAGTGCTTGTCTATTTTCGCGAGGGTACGGAGCTGCTGGCTCTCGCGAC
CATCGAACTAACGTAATCGACTCACCGCCAATCAGCCAGGAAAATTGCCTGCCATTTCC
ACGTAGAATTGCATCTGAGAGTAGCTTTGATAAGAAGGCAGTGATTGACTTGGCTTCGAG
CAGTCTTCAGTCATCGATCAGCGCATCTCGAACCAAAATTCGGCAACGGTCGCTCTCGCTT
CGGAAGAACGGACTCGTTCATTGATAAGCCTGGATTGAACTAGACGGTTGTCTAACCTC
CACATCCGCGAATTTTCCCATACGCTGTTGTCAAAAATTATGTGCTAGACTTGACCGCAG
>EP78744 (+) Dm TRP; range -499 to 100.
TAGCTTTGAATTTTCGGCTTGAATAGGTGTCAAAAAGTATGCAAAAGTGCGTATTTTTTTT
TGGGCATTGATCTATATTGCTGGGTACAAAATATTAGACACCTATTTAATTTTCATATCTC
AACTGTATGCATCATTTTCATCGAAATATAAGCAGATAATATTGTTCCATTTAGCACGTTT
TGTTTTTCACTTACATATAAACCCACTGGGCAGTATTGATTGGATTTTCAGGCATAAAA
GTGGTGCGATTCCGTTGCTGGGGCTTCGAAAATCGAAAGTCGCTCATCACGTGCAATGCA
ACCACAAATGGACGAAAGATTCTGAACGAAATCGCTAAAATCGTTGCTGCCTCCAAA
TGCAGCCCCACAATTACCGAGTGCGGTCAAATGGGCCATTGACTCGGGGTTTCGCCAC
ACATTGACCGAGTTTTAGCCCATTTGGGCACTAATGTAATTAGTGGAATATAGCGACCCG
TGGCTGCCACTTTTTCAGCAGTGCAACGCGGCTAATTGGAGGCGGAACATCGCCACGATGG
AACACTAAAGGATACAGTGCGCGAAAGGATTACGCCAAGGCTCCCCGAGGAGCAGGGATA
>EP78745 (+) Dm CG10990; range -499 to 100.
TGTGCTGCAATTTGGGTTATGTAGCTGCCCCGCTTGTCAAAAATTCCTGGAAAATAAGA
TTTTACTGAATTGAATGTTTTTAAATCTTGATAAAAAGGTAAGATCATTGGGCGAGTATA
TATATACATCCAGTGAGTGTGTAATAAAGTAATGTTTCATTGTTTTTACTAAATATGCA
TATGTTTGCTTGATATGCATTTCTTTCTTTTCTTTTAAAACTACTTCTCTGAGATGCC
ACTCTGTTGGACCATTCCAGAACCCATCAAAATCAATAAGTTTCGTTTATCTTAGTTT
TCCTCATAGGCAGGCTTACTACATAGGATTGAATTTGTATTTACATATATTTGCAAATTT
TTTAATAAACTTCCCCGTTTTAAGGGGAAGCTTCGCCAAGTGCGCTTTTATAACCCACCA
CCTTACCAGAATCGAACAGTCTGGCAGCACGGTCTCGCCGAAAAAGTATAAAAACCCACG
TCTCGTCGCTCTCTGGTTCAGTCGAGTTGAGTTTTACGGCGTGAACAACAGTGTGCGTT
ATTGGTTCCTTATTCTGCGGTTCTTCAATCCTTTTTGTTCCAATCCTACTGAAAAAGAAA
>EP78746 (+) Dm BCDNA GH18422; range -499 to 100.
GATTATACGTCGGTTTCTTATACAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
ATAATATATTAAGAAATGGTTTGAACATTTTGAATTTAATTATTATGCAGAAGTGAGCA
AACAAATTTGCAATAGATTTTAAAGAGTGATAGTACTATACCATTAAGGCGTAATAAA
AAATAAATGCACTAACTGTTAAATGTCTTGAGTAAATGGTTGAATGCACTTAAATAAA
TAAAGTTGCAATATTTTTCGAGTTTCTTTCTTTCAATAACGGATTTAAATTTAAAGCC
AGCGTTGCCAGATAGCATGTAGCTAGAGTTACAGCTCAATGCCTAGCACAGTCATGCACC
CTGGTGTGCGTCTCCGCTGTGCGTATTGTATGGCTATATTTAGTACATTTTCAGTGCCAC
CACAACATATGGCACAATAAATAAAGCACTAAACAAGCAACGCGGGCTATAAAAGCGAA
ACGCAAGCTCGCAGATTGCAATTCAGACGCGAAGCAACAAGCAAGTGACATTGACTCCCA
GCCGAAAGTGAGACTTTTGAAGTAAACACACAAAGTGTAAGTGCAGCTAAGAAGCGAACAA
>EP78747 (+) Dm CG7752; range -499 to 100.
TACCTCACAGGTTGGGTATGCCAAATATTTACGAGGAGAATATTTGTGAATTTAAAGTGG
GCGGGCAAAGGCGCCCTCTACTGTCTACAAAACGCACTGTTAATTTTGACATTGCATGAT
AGGAATGACGCTGAGCCTTTTTCAAGACAAAATGTGCTAATTATTTACCTTTTACAAAT
ACAAGCACAAAGTAAGTATTTATTTGTATTTAACCCTCAGCAATCGCAATAAGAAAA
ATAAATGCTTTATTTTCAAGTAAATAATTACGTTATCGTAATGAACGGCAACGCTGTG
AGATTTTCTCTGTCTGACCATGGTTGACCTCCAGGCAGCCGCAATTTCCGTGGCGTGCG

AGTGAACGACTAGCCCATGTTTTCCGCCGTGCCAGGGCAGCGAGCATGCTAAAGAGCG
AGACGACCATACGCGTCCGTGAGAACTGCTACAGCACATACGCATTTTTAACCCTAAAA
AATACAGCACCGAGTCTTTAGTACAGTCAAAGTGACGCCGCGACAACCTCAGAACGAAACC
GAAAAATAAAAACGGAAGAGATTGTTGTTCTGCTGTTCCAAAAAGATAGATTGTTTCGT
>EP78748 (+) Dm CG6439; range -499 to 100.

TGTTTAGCTTCAATTATACAAATTAACATAGAAACCATCATTATAAAATCCAAACATA
AATACTCTGGGAAGATTTGTAATAAATTCGATACCAAGGCATGAATGGAATATGATATAT
TACTAAAGCTGAAATTGGCAAGCTTTGTGTTTCTGAAGAACAATGTGATTAGGCCATAAA
TAAACATAAAGAACATCCACTTGTGTTTAAATTTAGCGAAAAAAATTAATATAATAAATA
AGTTGACTAAAAAGTATGCTGAATGTCAAAATTCAAATAAAATGCATTGGCTAAATTTAA
TTTCTCTGTTCTGAAAAGAAAGCATGGTAGGCAAGGCAAATGTATTCAAAAAACAGGTTAC
TATGCGGTTGCCGCCAAATTTATTCCTTAAATAATCGTATATGTTTCGTTACTAATTTTCG
AACGCCAAAATCGCGATAGTTGGTCGTTAGCCAGCACTGGACGCGCCAGTTTCGTGGGCG
GCTATCGCCAGCCCTGGTAGTCAGAGGCAATCAGCTGGTTTGGCTGGTCGATTGTTGCTCT
ATTGAAATTTTTCGTTTGGCACCAGGAGCAAAATCACATCGCAATCAAAATTTTCGCGT
>EP78749 (+) Dm CG7424; range -499 to 100.

TGATTGATCTGGCAGCGCTCAGCATCAAGTGACCGTTAAGATATCGAAATATTATATATG
AAATATATTATTTTGTCAATTTATTAGCATATTTCTGTGGAGATCGATGAAAAAACCAAG
CATTCAGTTCCTGAACATTAATAAATTAATGTGGGGCAAAATGTA
TTATACGTAGGTTTCGAGATAAAGTTTCTGTGACACTAAAAATACATAAAACAAACAAACA
TGGTATACCTAATTGATAAGGCGTTTACAACTTCATTAATAATAATAGTATTCTT
CTGTACTAAGTTTCAATATATGCACATTCAAAACAAATGTAATAAATGATTGTTTACTT
CAAAAAGTAGAAAAAGTTTAAACAGTGCTTAAGAACTATACAAACATCGATATGCATAT
CAAGTCACAACAATGAAACGAAAACCTATCGATAGCGCATGGCTTGACGCGACGCTGCCA
TCGCTATGTGATTTCCTTCTTTTTCGCTTCACGAAATCAAGATGGTAAGCGTTTCCCG
AAATCGTTGAACATCCGCAATTGTTATGCCGAAATTAAGTGATTCCGCCAAAAGAGCGG
>EP78750 (+) Dm RPD3; range -499 to 100.

ATCGATTAATCGACTTAACATTATTTACCCCGGACTACAACCTATTACTTCTGTGTTTTT
GTTTTTCTTAAATTATAATGAATCATTTATATTTGTATAGAAAAATTTGAAATCAATTAG
TTTATTCGAATGCTTAACTTAAATGTTTTCCAACAACATCTCTAGTTCCAGCTTCAGAC
TCTGCAACGTGATCTTAGCCAATAAACTTTGCTTTATAAACTTATAATTGATCCTTGCTA
TTTTTCAAAAAAATATGTCGTGATATTTGATAATTTTGTGATAAGTACATAGGTCTGATTG
TTTATATATCTAATAAAAAATGACCCTCTGTATGAAGAGGGTAATCGTATTTTCATATGT
AAATTTATATAATATATTTCTTTAATAAATAATTAATATATTTGTTTGGTATTTTCGCT
ATTCATGCAGTTAGTATTAAGTATATTTCTGCAGAGCCGGGAAGTGTGGATTTAAAAAA
GTCCGCGGTACACTGCCCCTCTGCAGAGGTTTCTCTTCGCGAATTTGTCTTGTCGCT
CCGATTTTGGCTATATAGTTGCGCCAAAGTGCCAAAATCGGACCGGCACCAAAGTAAAC
>EP78751 (+) Dm CG6020; range -499 to 100.

AAGTTTTCGGTGTGACAAGCAAGGCAGTTACTTTTCACTGGGACACGGTTAGCTTATGT
CTTATTTGCCAACAAATATTTATAAACTAGTGCCAAGCAAGAAGAGTGGTTTATATGACG
GTTTAATTACCGCTAAGAGGCTAAGATATCCCAAGGTTGTCAAAGTAATTATGAGGTAA
AATTATTAGTGCCACCTAAATAGTATGAATAATTCGAGATCATAGTAGTTATAACCGTAG
TAGCATTTACCGATATTTGATAATCAGATAATTAATATGTTTGGTATGCAATGGCCAC
GAACACGGTCTATTGGTTATGAGGTCAATTATTTACATATTTAGGGTTAACTTTAGGTTA
ACAGGGCTTTTTAAAACTATAGAAAAAAGTGTACTTTCCAAATCAAATGTTTTTCTTC
AGTCTGGCAGCTTTGTTTGACGGTAGTTTTTGATATCAACCTGTCAATTCTAGTATATTC
CAATTGCTACGCCACGGTCACACTGTCGTGGGGCAAAATAAAAAAGTGGCTGTTCCGAA
ATAAAATAGGATTTAAGCGTAAATTAACGAATCGAGTTGGTCCAGTGTCGCGTGCGA
>EP78752 (+) Dm CG6770; range -499 to 100.

ACAAATGCAGGGTAAATGCACCTTTGATGGTCTTTGCGGAGGGCCAAGGTGGGTGTGTGT
TATGTAACCACTCAGGAACGTGTGTATGCTTAAAAGTTCTTAAATTATTAATAAATGA
ACAAGGCGAAATAATATGTTTGGCGATTTTCAGTTTTTTTGTACCAGCGCACTTTGTAAA
CAGCAAAAAATTAATTTGCGCAGCAAAATTTGTCAAGGAGGCACCTCTTGTAGCGCAAAA
GGGTTGTGAGGCCCAATAACTATGAATTTAATAACTAAAAATCTTTTACATAAAAAAG
AGCAAATATATTTGTAAGTTTCAGTAGAAAGTTATAGAAAAATTAATATTTTGTAGTA
ACTACACGTAAGCAACAATTAATGCCCTTCTAGTAGTTTCTTTAGCTAAATCCGGCAAC
TCTGACGGAGAGAGAGCTTTGGTTACGGAACAGAAAGCTTGCGCGCTATAAAGCCGCT
GCTCGACCGAAAAAATTCATTTCCGTTTCGAGCTCAGCGAAAAAGTGAACAAAAAAGCA
GAAGAGAAATTTGGAAGCAGCCTGCAAGTTTGAGAGAAAAAAGCAGACACCAACC
>EP78753 (+) Dm CG3011_1; range -499 to 100.

ACTTAAACCGGTTTCGAGTACCAGCAATTTGGCGGGTACTTTAAATGCCTTAACGTTATC
GCGCGTTTGATAACTACGTACATTTAAGGGATTGAGAGAAACGCATATTATGATATAAA
ATAAAGTGTTAATTAATTAAGAGGCACACAGCTTAACATTTCCACAAATTTGTAAT
ATTTATACAAGAATTTGGTAGCTATCGCTAGCGTTGCCAGACGGCGCCAAAAGCTTCTAAA
TCCAGCGATCCAACATACCAACAGCTGATATCTGTTAGCCTGGTAAATGTTGTTTACCA

ACGTAACGCGTGTTCCTCGTTGATTTTCGGTGTGCAATATTTTGGATGCTGGCCA
AGAGATAGCGCAGCGATCGGGTTCGGAACCTTTGGGCGGACTTATCACTGGGTGCGTCAGG
GGTCACGGGTTATCGTTATCGCTTATCAGCCAGCGGCGCGTCATCTCAGCGCCGGCGAC
TCTTCTACTTTGCGGCAGTTCGATTGCAACGCAGCCGTGTGAGTACTAATAATTACCA
AGGATTGTTGAAAAACATCCACTAAAATCTATAAAATTTGCTTATTACAGTTACAAAGA
>EP78754 (+) Dm CG3011_2; range -499 to 100.

CGACTATACGTACGTTTCCCGATCTTTCCGAAGTGCCTCAGCTGCAAAGGGGGGGCAG
TGTCCTTATCGTCGTCCGGCGACTTGAAGTGGTGACCCAGACGGATGATAATCACTTGAC
GATAAGCGGATCGCAAATAGACGCGCTCTCCCATCCATGGGGGGTTCGATTTTCGATCAT
GGGCGTGTATTGACCCCAAGTCACTTGGTTTCCCTGGTATTTGGCCAATCTAATCGTGG
ATCGGGAATAGGGAATCGGGGGAGCGCCTCTCGAGTGGTTGCCATGGTGCATCCAGGCGT
AATCTTCGCCTTGGCGATAGCTGCGCCTTATCGCCGGAACCTTTCCAATGCTATTTGAAC
CCATTGAACCGTATTTGTTTGTAACTTTTCGCAACCATCGGCGGCGGGAACATAAATAT
TATTTTGTTCGAAGCGTTATTAACAAATGTCATAAAGCTGACCAGGCAGCCGTTTCAT
TTTCCACGGTCCGCACATATTCAACGATCGTCTTGGCGAGCGCATCGCACATTGCACAGC
ATTCCAATTACTATATATATATATAATAATACTATATAAATCCGAACAGAAT
>EP78755 (+) Dm TCTP; range -499 to 100.

AAATCAGGGTTTTTGACAGTGCCATCACAGAAATTACGTACATTTCCCTGTTTTTCACTCG
AACTTGTATTGATGGGACCGTACACTGACTGCGCGATATTACCGCAAACAGGGATGCCAC
TACGTTGGTAAAAAACAAATAAGTCTCGAAAGTATTGATTTTATATCAACTGTAAACAT
TGTTATTACTTTATATGATTAATTCTGTTCCCACTTTTATATTATTCCAATTGAGAATAT
TACACATATTTATCTTTTTTACTGAAACAGTCTCAAATTATTAAGTTAGAATGGCCAT
AAATATACGTAAGAAACATCAATATTATAGCTATAATAATTTTGTTCGCCTTGTTAATAT
TCCCTGCTCTTAACATAACAATAAATCGAAGAAAACATTGAAATTATCGATACGTGTATAG
TAGGCGCTGCCACTCCCGGATCAATCGTTACCACTCCCAAGCGAGTTGGCAGTTCCTTCG
CCATTTTTTCTCGCTCATTCTTTTTGCTGTTCGAGTGAGCGCGTGGCAGGTGTTTTCGCA
GTGTTCCCGGTCCGGTGCAGTTGTAGTTGCATTTTCGCCAGCGATTTAGACGCCATCTTC
>EP78756 (+) Dm CG17492; range -499 to 100.

TATTAGTTTGTATTATAATTGTTAAAGAGGAGTATAGCTTACCTGCTCCATTATGACCCC
CAGCTTTTGGCAAGTTGTGTTTTTCAATTGTTTATCAGCATTCTGAATTTGTTGGGCCAA
TTCGATGATATCCTCCTCTGGTGCATGGACACACGCATGGGGTTTATCTGCAACTGGGG
ATTCCTCTCAACCAGTTGGGCTAAAAAATACAATATTTATTTGTTTACCTCTCAGTAGTT
ATATCATAGAAGCGTACCCTTTTTTACAGTGTCTGATACGTCAATTCTGCCATTTTCGGC
CGCTCTTTTCATCACACGCTACCGTAACATGAATACAAATAAGTAATCACTCCGCGATTGA
CAACTATGTAAATTTATGGACTGCCAAAAAATAAATAAACATGTGTTCTTTATAGCTG
GTATATCTCCTCCAGTCATCGTTTTTCCCTAGGTGTTATCGATCACTATCGAATAGATGTC
ATATTGCACGGCGCTCTTAGATAGAAAGAAGAAGCACACTAAATTGTAGTTTTATTTAA
TAGTTCTAGCGAAATAGTGAATTTTGGCCATTTAACTAAAAAATTGTAATGTCCAGGCGA
>EP78757 (+) Dm MRNA-CAPPING-ENZ; range -499 to 100.

TTAAAAAATTTTAATTTTTTTATTTAATTAATTTTAATTACACTAAAATTTATTATATA
TATTATTAATACTTTTGTAAATACTTTCTCGTAATTTCCCGTGAGAACAACTTTTTGA
CGAATTTCCCCAACAAATTTTCAAACAATCGATGCTATCGATGTAACGACGCATCGAT
AATTTGGCTGGACAGTTTCGATGATATATCATTTTTAATAAAATCATTAATAATGATAAAAG
ATATAAAGATTTAACTAGATTTGCTACAAACATTGCAGGTGCGCTGTTGTCGATTATTC
CAGAATAATAACTTCTGGCTGTGCTCATTTTATTTCCGTTTTATTATTAACGTCTTTCTT
ATTTGAATTCACCTTGCAATATTAGTGTGACCAATAAGAAATATGAAAAATATTTAGCAA
AAAACGCGATATCTTATATATATATATATCATTTATTTTTATAAAAAGGGAAACAAATAA
GATATCGATATTTTACATATATATTCCACATCTCTAGACAAATCCTACACAGAATTCCC
AGGCCCCGCGAGTTCTCGCTGCATCTGCATCCACCACAATCTGCACCAGCAATAAACCACC
>EP78758 (+) Dm CG6188; range -499 to 100.

CGATGTACAGTGAGTACTAATCAGAGCAGACCTTTTATAGTTTTATGAACTATAATTTGTT
ATATATATATGGACAAATATAATAACAATATTTTAGTGACGCAACACAGATTGGAACCGA
CAGGATCTAATAATATCTGTGATTTTTATAAGTTTTACAGATTACAGATTTCACTGTAAG
CTGACATGCTTAACTATTTGCTTCGTCTATTCTATTTTGACCAGGGGATGCGATCGCTGAC
TCCTAATCAAAACCGGAGGGTCAGGGTCAGAAGCAAGTCACAAAAGCGAAAGCCCGCCGG
CGAGAGCACGTTCCGTGCGGAACAGATGTTGAAGCTCTAGCCGTCTATCCGCCCATGGGT
CATACGTCAAATGGGCGGAACTGATAAGATTATGAAGTGTATGTATGTGGCCGAAGTCG
GCACTATGTGGGAGCGCCAGCTGTTGGCTTCTGAATCCCAGGAAAGGCGACGTGCAACGT
GATGGTGGAAACGGCAAATTATCACTTGCAATCCGCCGACCAAGTGTGACCAACAGAGAT
GACAACCTCCGCTGACAGTGTGTTGCTTGGCCGATCCGATGGCATCTCCGCCGAAGGAGT
>EP78759 (+) Dm CDSA; range -499 to 100.

CTAAGCACAAGGTTTTTGGACACCTCGCAGCCGATTCGCGCGGCGCCACGACCAGCACC
TTGGACTTCTTTACCAGCTCCTGCAATGTGGGTGGGAAAACACCATTGATAGCTGCTGCC
ATTTTCTGAATTTACGTTTTCTTTTTCTTATTTTTGGCGAGAAAATTGCAAAATTGCGA
TACGGAAGCCGAGAAAAGTGACGCCGCCGGTGCAGGTGTTGGGAAACGTATAAAGCTA

CGGATATTCTCTACCAGGGATGGCTGATATGGGTGACTCTTATTATCACTTAAATTAAC
TTTCTAGTATTATTAATATATTTTATTTTACATATTACGACAAAAGTCACCGTTAATTGC
ACAGAAAAAGAAAGTTCTTTTAAAAGACATCAAACATTTTCTGTCCGAAAAGTCAACTTG
TAAAACCTAACAGCAATTGAGCATACTTGCCAACACTTTTGCTCCACCAGCCCACTTTGC
GCAAGCTGGGCACACTGCATGCTGGGCTAATCAGAAATAGAGAAAAGCATTTTAATTCGG
ACGAAGTCGACATACGGATCACGCAGCACGGGTACGGCAAACGGCAAACGCGGAGAGCG
>EP78760 (+) Dm EFTUM; range -499 to 100.

CGATCTGGGAACATCCCATGGCGCTGCGTTGCCAGACAGCTTGTTACACACATGGGCATT
TGTATGCTTGTGTTGGTGTTTTATGTTGGGTACAGTCTTGGGGGCAAATGTTTTTACACT
GTAAAAAGTATGCTAACGTGCAATTAGAGAATTGGCAAGCACATAAATTTAATTAGCAAG
TTATATTTGGCATTGGTGTGTCTATGAGTTTAGACGAGTTGTTGAGATGGGTGGTTAAT
GGGTGGAAAAAACGCGCACAAAAATAATAACGTCAACAAGGGGCTGCCACCCCTTTCAAT
GTTCTTATGCAAAAGTAGCAGTCAAATATATTACTCTATTTCAAAGTAAATATTTAAAGT
AGTAGCCTGTTTTAATTAATGTTAATGTTTTATAATTATTTTACCATTATAAATTTTTT
TTTTTTAAATAATTTAACGTATCGATAAGTGGGTGGCCTATCGGACAACTCCACCATGT
GGCAACTCTGGCGCACAGCACATTTACGGGTTTACGCAATTTGAGCCGTAAGATTTTCT
TCGACCTGTGAAAAGGCTTTTACCCCTGCCAGGATAGCTAAATCTTCACTCGTAAGTG
>EP78761 (+) Dm CG11274; range -499 to 100.

CACTCAGCTTTATAAAATTGAATTGAAATTTTGTCTGAAAAATAATCGAATCCTAATGTT
AAGTCTAAATTTAAACAAAATTGATTAAATGCCTCTGTGCGTTTGTAGTGTGATTTATT
AGAACCCCTAATTACGGCATTGCAAAATGCTAAATAAAAACATTGTTTCGAAATGTGAC
TGCAGTCGTTTAATTTCAAAGGGATGGAATATAAAATTGTTCAAAGGATGGAAATATAA
TAATGAACTATAAATAGAATGTAATTGCTATGGCTACGCACATACCGACATGTGCCTTA
AATGATCTAGAAAATGTAGCTCTTTTATAGTAAAAATAGAAACCAATCTAAACAGATCAT
TTTAAATTCGTTTTAAGTTTGAAAAGATTTAAATGTAACGGTCGCATTTGAATTAATA
AAGACAGTTAACACCCTGTGCGCAGCGCTGCCAGATGCTCGCCGATAACATTTGCCGATA
GTCCTGCGCTGGTCCGATTACTCGTGTTTTGGGCCGCTGCTGCCATCACTGGCGCAGACC
GTTTTACGAATATAATTTTTTATTTTGGCATAGTAAAGTGCTGAAAAATAGCCAGAAAA
>EP78762 (+) Dm CG1970; range -499 to 100.

TCATAATTTTGTTCCTTAAGTTTAGTCATCGGACGAAAAGTCCAGAAATCAATTGTTAA
TTAAAGAATTTAAATAGTTTCGTTGTTTTAGTCATTAATGTCCACATTCGCTCTGCTG
AGATACTGCTAAGATATATAAGTTTAGCCTTGAGAAGCTATCATTATTATCTCTAGTAA
TTATATTTTATAGTGCTCCATTAAACGCAAAATTCGCTTCATTGGGATGATGTAATAATC
AGGTCTTCGAAAAATTAATTGCAATTTATTGTTTATAACATTATATAAAGATAAATAAAAA
CTTGGGTAAACGAGCAGGATGACAAAGTGTGTAATATATATAAGGGAATTTATGTGTTTT
GCACTTCATTTTCATGAAGCAACAACCTGCGATATATTATTGGTGAAATAGTATATAAG
CTGTACGAGATTCGGTGTTTAAAGTAATTTTCGATATTTTTTGGATAGAATTCGATTGC
GGATAACTATTTGGTTGTATTAGATTCCTGAATTGTTACTAAAGAAACATAAATAGAGGA
ATTTGACTATCAGGATGGCCAATATAATGAGAAGAACGTTGATTCTGGACTTTCACACT
>EP78763 (+) Dm CG1518; range -499 to 100.

GGTGCACAGTGGTCGCAATTGCATACTAGCTGACAACTTTTTAAGATTGTTTACATTTC
TTGATTTATCTGAAAATTGTTACATTTTTCTTTTTATTGTGCTTACGGTTGCTTTGGC
GTAGTTGACATCTTTGGTCTAAACGTATTTAGACAACTTTTGGTAACTTTCTAAAAAATA
ATAATCGTACCCCACTGTGTGGTGGTTGAAATGTGTTTTTCGCTCTCTGCTCACTACTCG
TGCTCGCTCCCACGGAGAGTCGAAAACAGCTGGGATATAAGCCCAGGAACAGCCGGTTAT
GAATTGCCGATTGCAATACCAGCCGTGCTTTTGATGACTCACTAATAGTAACTAATCATA
AATCGAGAATTAAGTCCGAATAAACCGCAAAATAGCAGCCAAAAGAAGTGTTAAAAGGG
AAACAATAAAACCCGCCAGCGGTGAGAGTTGTCACCCCTATTACCGATAGACCGGCGATA
GCACGCGATAATCGATGCACTCTCGCTCTTTGCCACGAATTGCAAGTTTGCGATCCCG
TCGATTTCAAGTTTCAGCCATTGTTTTGTGCAAAAAGCTAAGTAATAGTCTTCGGTGGG
>EP78764 (+) Dm CG12533; range -499 to 100.

CTGAAAGCCTTTAAATCATTGGATTGGTAGTTATCTGTATACGCAATGTGGTACAATAAT
TTTTAAGCGGTACGAAATTTATCTTCTGGATATAGCATATCTAATATATACGAATTATA
TCTGATCTGATTCGGTATGAAGGACATACATACATATGTTGTTGTGCTTTTTAATC
AATGATCTAATGATCTACGCATTATAATTTTTTTAAATTTCCAACAATTTAATTTGATG
TACAAATTCAAAACTATTAAGCTGATATGAATTTCTTCTAGCTGTTGTTGTCAAAGCC
ACATTTTTTTTTAAATTATAAATGAAAAATAACATTTAAGCTCATTGTTTTAATTTAATCT
AAGGTCTTTTTTAAACAATTTTATAATTGGCAATTTAGTTTTTATTGATTTTTTTGGAA
GTTTCTCTTGAGTCCGAACGCCAGTGTTGGACAACATGTGTGGTGGGCCTGCGATCAGGT
GGCAGCCCCAAGGGAACTGATTGCTCAGCTCCGCCGAAACGAATCGAAACAATAACAC
AACTGTTCACTTAGTCCGGAATTTTGAATCCAGCAGCACCATGTCCACACTGAACCG
>EP78765 (+) Dm BETA-TUB60D; range -499 to 100.

AGAAACATTTTTATTAAATTACAGCTCAAATGCCTCAGTAATTTCTCAAAACAACAAACG
ATAAATGAACTTTAAAAATTAAAGTTCAATGGTGTAAGGGAGTGAGTCAAAGGCAAAAT
TAGTCAACTGTTTTTAGTCACTAATTTGATTACGATTTCAAGCAAAATAACTGAAAAGAT

TGGATATCATGAAGTAACCTTGCTTAAAAATATGATTGAATAATAATGACAGCTGAGTTAA
CTTATTGTGTTCAACTTGCAATTTTTGTTGGATCCCAAGAGGAGCTGCCATGTGGCGAGTT
TTAAGCTCGATAAATCCGCATTGGCCCCACTGTGCGCACTGTGGCTGTTTGCATCTGT
GTGCGTGTGGTGTGCCGGTGCCTCGGTGTGTGAGTGCGATCGGCCGTCTCGCTCTGGCC
GCAGCGTCGGCACTCGAGTCGCACTGCACTCAAAGTCACCAGAACATCGTCGACGGACTC
GAGTTTTGTTCCGCCGATCAGTTGTGTCTTGTGCGTTGTGCGGTGAAGTTGCGCCTTCGT
TCTGAAACCTAATAAGCTGAGAATCAGAACCTCTGGACATCTGAACGTCTGAAAATCCAG
>EP78766 (+) Dm CG3192; range -499 to 100.

TTGCCATCTCGTACAAAAATATATCCAATTTGCACAGCACTTGGAATCCTTACCAGAC
GCAAACTTCCAATGGCGGCCAGGGTTTCGTATTTGTTGAACGCCGCAAGCGTGGAGC
GTTGCAATAATGGTAGCACCATCTCTATGCTTATTCCTTAGTCGGTAATTAATAAATAAG
TTTGCAAGCAAGTGATCTTTCACGGACGAGCCACCACAACAACCAACAACAACAAAA
AACAAACAACAGCACCTCGATGCGCGGTGAGAGCTATCGGACCATCGATTGTTCTTATCG
ACTTTGTAACGATTGCTGCCTAAGTTTCATAAAAAATTGAGAAACAAAAATCCTAACATTT
TTAAGAAACACCTAGTTACCTTAGTACTAACTGTAAATTCCTATTCCATAGCTAACAAAT
TTAAATCTGTTGATAGTTCTATTTGTTTTTTTTGAAACTACAACATATCGATAGCAGACC
GTTGCGGCACGTATCCTATCGTTGTGCCATCCGCAGGCGAACAGCTGTTTTTTCGG
GAATCGTAACCTCAGAGGAACTTTTTTTTAGTGGAACAAGCCTGCAATGTGCGCGTTTG
>EP78767 (+) Dm MTAP; range -499 to 100.

ATTCAGATTTCTTCTTCTTCACTTCAGGCAGTGTTGTGAAGTGACACGGGTAGGGTACC
CGACTAACGGCTCGATAACAGGGTGGCTGTACATTTAGACACCCTACAAAATAAGCAT
ACAAATTAAGTTTGTTATATAAATGATACAATAAATAATTTATTCCATGTTCCAATTTCC
TATTTTCTTTATTCGGAAGTATGATGATATAAGTTGTAATAAATAAATTAGAAGGGCT
TTGTTAGTTTAAATTTGATTGATTTGATTCTTTATCAAATGATTAGTTTGTCTAAAAAT
GAATAATTATAAATATTAATTTGTCATAACTATTATTATAAGATTTAAAAATCAAAATTTT
GCAACATAATTCAATTACCATTAATTACACACCCACGACGACGTGCTGAGTGTCAATTTCA
ATATGCCCCGAGCTTTTGCGGCTTATGCACCCCTACCGTGTAGACACACAGTTATCAGTACG
CTATCAGCGGGAACATTCTACTCTGCTCCAGACTGCCGCAACAGCAGCTTGTAAGGACAC
AATCCTCCGCTAGCCATGATTACGATTAATGTAAAGACACCAATCTGGACCCGCTCCG
>EP78768 (+) Dm CG8188; range -499 to 100.

AAATACCACAAATATGCTATAAGCAATAGATTTAAACAACAATGAAAGTATCTAAAAAGA
CTTAGAAATAATAAATTTGTTTTCAATATAGCTAGCAAAGGTTTTGAATTTATCACAA
CAATAAGTTTTTTTTTAAATAACGGTATGTTCTTTGTTGTTTTAAATATTTCCAGAG
GTAACCTAGGCATGAACCGATGTTGTGCATATATCGATATATCGATAGAGTCTGAGCAGC
CATGTTGCTGCGTTAGTGTAGAGACAGTTTGTGTTGTGGGCTGGGTGGATCTTCAGATG
CGCTACATTTGCAAGTGGCTGCTGTTTGACGAAAAAAGAGGCTTAAGTGTACAAGAC
AAGAATTAGCTATATTTAAATGCTCAGTTTTAATCAAAGACGTTTTTTAAATAAATAAAT
AAAAACCCGCTTTTAAATCGAAGGCAGGCAAGACGCCAGCAGCAATATGCCCCAATTGTA
GCGCAGCGCCAGCGACGAGGGTACTGTAAATGAACTGTTTTGTGTGTTGTTGTCGA
GCGTGAAGTGTCCAATTAGACAACCTGAATTTGTTTAGATGTGAACGCCAGAGTCGAGATA
>EP78769 (+) Dm CG7616; range -499 to 100.

CAAACAGAAAAAATGCAGAACCTAATCAAGAATCAACAAAGCAGTGTGACCTTGCGCGGA
TGATTGAAAAAGACACGATTTCCGTAATTAACAAAATACCAACATCAGTATATGTTTAG
TTTATTTAGTTTTGTCAACCAAAATAACGGTTTTAGTGAAATGTTAATGAATGATTGTAA
TTTTATTTAGCTTATGGTGCTTTTTTGGAATATGAACTATTATTTAGACATAAAATCAGT
CAATTGCAACAAATTTGAGCTGCGTAATCTAGTGTAAGCGGAAGTTTACAGAAACAAAT
GCTCTTCTATGAAAAGAGTGCTTTTCGTATTTTTGAATGACACTTTTCAAGCAGTTAGTA
AATCGAATACACTTGAAATTTCAAACCGCGGAAACGGAACCAATGAGCGGGTGACGA
TGACGATGTTGCCCATCATCGCGCTGTTGTTATCATCACGGCGGGTCTACAAACAGCTG
TTCGGCCTTTCCAGCTGATTTGCGCAGAGTGTCGCAAGAGTAACATTTGGGTGAACCTT
GCAGCGGGCGGACAGAAAATGCGACCTCTCCAGGTGAGTGCTACAACGCTGAGGTCCATT
>EP78771 (+) Dm CG6309; range -499 to 100.

ACCTATTTATATTTAATGAAGTAAATTTTAAACTCCCTATATTACCCATTGATCTATTA
ATTGAAGTTTGGGCATTTTATACAAGCTAAAGTATAAGACCACATCCTAGACACAATCCG
TATAAGACAGTGTCTTGATATCTAGCCAAGACATCAACCGCTCCCAAAAGCTTACAGTG
GTCAAATTACAAACAAGTGTCATTAATAATTTTTGTGATAAATCAATATACCAAGTAT
AGTAAAAATAAATGTAGTATTAATAAATAATTTTAACTAAAAATTTCTGATATAACCAT
ATTTAAGCCATATAACTTAAAGAATCGATGGACAATCCGTACACATTGTAGGGCACCTGT
ATATGCCGGCCGGCAAATGATAATTGAGAGGAGGACCACAAGCAAAGTGAGAATCTGATG
AACGGCAGTGCAAAACAAATCGCTGATAGCCAGTTATCGGGGCTCTATATAAATCGGCAT
CTGGCAGCATTTAGTTTCAGTTTCGCGACGTCTCCAGACAGCGGTTTCTATTCCAGT
TCTTGAAGGTGTATATCGTCAATATGGCCGATCCCAACGCCAAGCCCAAGTACACAA
>EP78772 (+) Dm FS(2)LOPP43; range -499 to 100.

GAGTGTGGCTTTTCGATCAGCTGATTGGGGGTAGAAGCACCGGAAGTGCCGGAACGGGG
ATGAAAAGTATTCGAAATTTGGCGGCATTCAAAACTGTGCAACATAGTTACTTCTGTAT

AAATACAAAATACTCAATAAAATTCAAAATACTCAATAAATGCAAAATACTCAATGCAAAA
CAGTTACAGTTTACATTATATAGAAATATAGAAAAAAAATGATTGATAGTGCCAACTAC
CTACTACTGCCACTGCCAAACCTGCCAATCTTTTCTGTGCTATATTATTTTGAATGATT
ATCAACAGATTAAATCACAAATTAATAATTCACAATTAATCGTGAAATTTAGTTTACTGG
CTCTACGATTTAAGGATTTCGTACGATAGTTTCGAGTCTCAACCAATTCCATCTCTAAA
ATTTGTATTGATGAAATTCAGAGTTGCAGATATATTTTGGCATGCCCCGAACGGTCACA
CTGCGCGTCGCACACTTTTAATTGTTTCGCTTCGCTTTCTGTTGTTTGTGCTATTCTCCG
AATTAATCAAAATGCCAGCGTTGTGCGAATCAAGCGACGCATCGACGAGGAGCCTCAGA
>EP78773 (+) Dm CG1153; range -499 to 100.

CTTGAAAGGAAATGCTTTTACTTACTTTTACAAAATCTCATTTTCAATTAAAGCCCAGA
CAATTAAGATTACGACTACGATTTTTCGGCACTTTTGGCCCGCTCTCTGCAGTCCGGGTAA
AAGTAGCTGGTTTTTTGTTTCGCTGGTTTCCACCGGCAGGAGGCTGCGTCTGTTGACAA
GTTACATGAACCTTCGGGCGAAAGCAGCGCAGCGGCAGCGACAACCTTACAAATTACAGTAA
CAATGCTTTTCCAGCTGCTGGGGTACCGTGCAGCGCGGCCAACGCTAACGGCGACGTCG
ATGCCGACTGCGCATTACCGTTGGCCGGCCAAACGAAAGACTTAAGCGAGAACTTGCAC
GACTAGTTTAGGGGAACCGCTTCTGGGGGCCAGGGGGCAGGTGGTTCGGAGAAATGCTTT
CGCAGCAGATGAGCATGCCGATGCCGAAGTCACTGCCACTGCCGCCGTATATAAATTGTC
GTGTGCGGTGGAATAATTGTATTCATTCAATCCTTAACCGTCTGAGCAGCTATACGGCAGCA
GCAGTCAGCCTAGACCGAAATACACAAAAATACAGTTTTCCATTTAAGAGAAAGTGCCTT
>EP78774 (+) Dm CG18213; range -499 to 100.

AAGAAGGGATGCGAGCGAGTGGTTTCGTCAGTTCCAACCTGTTTCTTTTTCAGCATAGTGGC
TCCGCGGCGAACGGAGGCTTTACGAAGAAAACATAAGCACAAAGCAATAATGCTGGGAGC
CCAAGGTTTCGGTTGGGCTCTATGTTCAATTGTTTCAAATAAGAAAATAAAATGGATTCA
TTATATAAAAAATTTATTTAAAAATTTTAAATTTGAATTTTCCATCGATAGGATAAATTGC
TGGTAATAAAGGTGTAATAAATGAGTGCATAATAAAGTAACATATTTTGGTTATCTCGA
AATGTACAGAATAAAGATATTTCAGTTGATTGGACCAAAGACACCGGAATATTCTACTTA
TTATTTATTATTATTATATTTTATCTATTATATAATATTTTATAAGCCGATAACTAAATT
GGATTGCTTACTTCTGTAACACTAAAATATTATATCAAATAGTTGTCGATTTTGTGGC
GGCGCAATGCGGTACATTCTTACCGCGAGATCTTCAAACACGCTTTGATGAGGTTTTT
TCAAATAAAGTGGTAATTATGCACCGAATACCATTGTATATGGGGTCGGAGCCTCGCCC
>EP78775 (+) Dm CG14758; range -499 to 100.

AACACACTTTTGGGCTCTGCAGTCTTTTCTTGGCGCCATCCTCTTCAGCGGCGGACGAT
CCACCGGCAATCTTGCGGCGCGCTTCTTGATAACGCGTGTCTTTAGCTCCTCTTCGGTG
GCCGTGCGGAATGTGCCGCGCTCCTCGGGTTCCTCCTCAGGTCCCAGTTTTCGTGGTTC
AGGTTTCGAAGTGGCTTGTGCTTGCAGCCATCTGTTCTACTCTGTATTAATACTCAA
GCAATGCCAGTGAAAAAGAAAAAACCAGTAATAAATCCACACCGCGTTGCTGGCGG
TCGATAAATGTTATCGCTACCTCAGTTGGGCGACGTAACGTGAGTCAGCGAAACAGGCC
TGCTGCTTTTCGATAGCATATCGATAGGGTAACAACAGCGAGACGCCAGCAGCACAAATC
GCAATAAAACAAAAGTATTAATCACGCCTAAAGTTAGGACGACCATGTCCAGTGCCGCG
AGTCCCGAGTCACAGTAGCAGTACCAGTCCGAGTGTGTTTCTGATCCTACCATGATTGCCG
CGATTCCGGGTACTGCGCACTTCCCTCGCCCAGAGACAAAGTTAATTGTGCATCTCGAGT
>EP78776 (+) Dm EP2237; range -499 to 100.

CTGTGTCCTGCACAGAAAGAAATCGCTTCGGTGATTTTTTGGGTCTTCTCGGAAAAGATG
GCAACATTTAAATAGCCATACACTTTTAGAGAGTTTACTAAAAACGATTTGGGTTCAAC
TGAATCTCTTTTAACTTATTGCCAACCAACATTACAGTCTAAAATTGAGTTAACAGAGAT
GTCATTCTTTACGGGCTATTTTGTCCGGTGCACGTGGGTTGCTGAGAGGTGAGTGAGCAG
GAGACCTGACCTTTTTCTTTTTTGCGCCGAGAGAGAGAGCCGAGGAGGTGCTGCCAC
GTTGCTGGCTGATGTTTCGTCGGGTACATTGCACTGGTTGCTCCACTGCCGATGACGAT
GGCCCGCTCACACACACTTGCCCGTTTCCAAGTGATTACGTGTCGCGCGGCTCCACTCAC
TCACACTTGACAGCCTCTGCGCGAGCGCGTTCGGCGGCGGACGCTGCTGGGAGCTG
AATGGCTTTGCCTTTTTTATTCTGCTCTTGAATTCCGAACGCAACGGTTCGCCTTCGCTC
CAAAACGGCAAGCGCACTTGAAAGCGCCAGTGCAAAGTTAGCTGAAGTGCAAAAATCTA
>EP78777 (+) Dm MCM10; range -499 to 100.

CCCCGTTTTCTTCTCACGCACACACTCAAATTTCTTCGGCTGCTGCAGTCTCTTTTC
CGCGTATCCAGGGCTGCTCGACACAGCTGGCGATGAAATCCCTGTGATTTTCACGGCTGC
GTTATTATGGCCGCTTCCAGGACTTTCTTTTGGATTTCTGCAGTTTTTTCGCGAATT
AAAGCCGAAAGATGACTTATTGACGAGCGGATGACCATATTTTCGGATTTGGGAAAAATCC
AGCTGTGCTGCAAACGAAAAATACCAGCTGTGAACGTTTTTGGTATTAAATATTTACCAA
TAAATAAATTTATATTTATTTTCAAAAACAATGAAAATTCCTTAATAACATTACATTACTT
CTTTATTAGGAGTGCTTAAGTATTCTTTTAAATAATGAATTATAATTAATAATATAATCT
GTTTGTACAGTGTGACAAACGAGCACTTTTGTAGAACCATATACATTACCCGGTCACA
CTGAGCCCGCCAAAACAGATATGTTATTGCGCTTATTTAGAAAACCAAGAAAAACACGA
GAACACGTGAAAATACAAATCTACCCAAATGAAATGGGTCCTGCTCAGAAATCCGGAACA
>EP78778 (+) Dm CG11275; range -499 to 100.

CTCATTCTTTGGCGACGACGAGGAGCATAATGACTCGGCTAAAGATTACGACCATTTGCC

CACGACTTCGCCAGTGCCTCAGACTATCAAAAGAAAATCGCGTGTAAGATTTAGCCGCAG
CACCATACGAAAACCTCCAACCTCAACGAACCTGGAACAGTTGGGCTCCACAAACGCCTTTTT
CAACTTCCTGCTCGCCAGCGAATTCGGGAATTGGGCTTGGTCTGCTCAACTACCTGGA
TGTGTTCAAGTCCCAGCGACTAATTTGGGGAACGCATCTGGAACGTCATGTATGAGTT
GGCTGAAAGTGTTCTGTCAGAACGATATTTAAACCTTTGGGATAAGAGGAAAACCTCGATGA
AATCGTCTACCAAATGTATTCGTGCGAAAAAGACCGAAGATCGCTGAGAACGCACTGAG
AGATTGGGAGACGACGAGGAGGAGAGACCTGAAATCGAAATCGCTTGGAGAACGTTT
CCCCAAACCGAGTAAGATCAGTTGAAGGTGGCGCTTGGCTCGACGTTGTCTGCTATTC
TGGTTCTCGCTCAAGTTATCCGAACCTCTTGAACAGCTGGGTAGTCTGGTCTGGCCTGGC
>EP78779 (+) Dm CG5177; range -499 to 100.

ATTGATACCATGGAAATGATTCTTCCGTTGCAGAAAATGTCGAAATTTAAATGTTTCAA
CTTGTTAAAATAATCCTTAGAAAAGTCCGATAAACTTAGATACCCCAAAGTGTGTCATATA
AAAAGAAACACTTCCAAAAGACAAACAATCTCAAACAAAGGTGCATGAAAGACATCATCA
AAATATATATGCGCACTATATACTCACCTCCCTTCAGCGACACAAACCGAAATTTGCGGC
TATATAGATAGACATTTGTGTGTGATTTTTCTCATTATATATAGAAGTCTTATATACA
GTCGAAGATCCATTATAGAATGTGCTTTTTATGCGCATATGCCTCATAAATATTGTGGG
AATTACTTGGCCAACGTACGGGGCCAGAGTTGCCACCAACCATTTGGAGAGAGGCCAAAG
CAGAAAGAGAAACGAGATGTGGGATCGCGGATACTTATAGATCGCAGGCATATATGGCTG
CTGGGCATAGCTGGTCATTAGTATTAATCGGTGAGGAACGTCCAGCACGGCGCGCAAT
ATCCGTTAGATACAAAATAATCTGAAACAGAGATACACATAGAAAATGGCTGAGCAGAAG
>EP78780 (+) Dm MSN; range -499 to 100.

GAGAAGTGAAAAAGGCGACCCAATCAGAAATAAAATAGAGAGTGAAAAGAAACAGTGGA
AATATTCCGAAGCCGAAAGATATTTGGACTATGCTATGCGTTCCTGCGGTACATTTT
TAGACGTCTTTATTTAACACATCTAATCTTCGACCATACATATCTTATTCTTATATTCCA
ATTCTGATTATTATATAACTTTAATAGGAAATGACTCAACGATTTGTGTTACCCTATGAA
ATAAAATATTTAAATATGTTAATTTTTATTTTCCAGCCTCTTTTTCTAATTGGAAT
TAGTAAATGTCTATAATCTAATTTATTGATTACAGTTGCAAATTTGTTAATTTGCTATTC
TGAAAGAGAAGAATATACGGGCACACGAATTGGCCTTTTACGGCTCGATATGTTTGGGT
ATGTGCGCAGAAATGAGAACGGTAATCGCGGGGTATTTTTCAGTTCGCGATGGAATAAGC
TGCCATCGGCTAATTGGTCACACTGTTGGAATCCGTCGGGGTTTTGGCGTCGCGTAAAC
GGAAAACCGTTCTGATTTTCACTGAAGTTGGGAAATTGAACTGTTTCAGCTGGTTGTGCGA
>EP78781 (+) Dm CG10035; range -499 to 100.

GGCGGTCCCCGAAAACCTCAGCCAAAATGCTCACATTGCTGTCTAAAATTATATGTCTACAT
TATGTGCCAAGCTATGCTTTTCTTTTATTGATTGCCAACAGATTTTCCAATTCAGAGCA
CCTGATTAAGTTGACTGAGTGGTGGGGGTGTTTTGATTGGCATCACTTGAACTCAACG
TGTTTGCATCAAACATTTTTCGACAGTCACGACTTCATCGCGTGCTTGACATTTCTTAGG
GCCACTCAAGGACACGGCCGACAGTGGTAATTAGCCAGGACATAAATGTTTCACGTGA
CGGTGTCCCACGGCCAAGGCATCTTCTACCTGAACCTTACAAGCAGGTAAGGTATGGAA
AATTGCTTTGTGTTAGGGATTAGAAAAGAAGTGGGATCTTTAGGATCCCAGAATTTGTG
ACATTAATTGCAAAAACAAGGACTAAAATGGCCGAACCTAGACGAGGCTTTAAAAGAATCGA
TCGTGTCTGGGCCAGGATCAGTTGTTTTTCCACACCCAAGCGAAGATGAAGTACCTCAA
GACTGCAGTTTCCATGTCCTGTTGGTTCTGCTGCTAATGATCCGTGGATCGCTTTGTGTG
>EP78782 (+) Dm CG18853; range -499 to 100.

CAAATTTGTATATAGCAGGGAAAATGTCGCTTCAAATCGAACCTACTGTGCAAAATTCAG
ATTGTCAATTCTCAGCCCGAAAATGAACCTAAAAAATACCAAAAAGAAACGCGCGTGGGA
TATATCGTTTATCATTGAAATCGAATATTTGGAAAAAGCCAAAATAGTGTTAAGCTACGC
TTACAAAATGTTTAAATTTCTATTTTTATTTGTGAATTATTGTAAATTAGTCAACAT
AGAGCAAAGGGATTTGTAAAAAAAATATTAACAAACATATGTAAATTGAAGACAAAAC
TTTACTGCTCAGTAACGTTATCTTATATAATTTTTGTTGAGGCTTACAACGTTATTTCTT
AAGAAAATGTTTGTAAAAAAAAGCTATTGAGCGCAAGCTAAATCTAACTGGAATTAAGGCA
GTTGGCCGTAACCTAAGCACAGGTGAACCTATCGACAATCGATAACGTCGCGGTGCCGTGC
GTAAGTGATGGCCAACCTCTAGCTGGATGTAACCATTGAGAATCGAGGTAAATATTGGTCA
ATAACAGCGGAGAACGCTGCAATTGCGGATTATTTGGGAGTCAAGTGCAGCTTGCCGGCA
>EP78783 (+) Dm CG1311; range -499 to 100.

ATAAGTAGGGAATATAACTTTAGTTAGGTCGATCGTCATATGACGAAATCTTGTTGAA
AATTGTTTCGCGCATGGGAACAATTTTGGAAATGACACTTTTGGTTATATTGGCGGAATCT
GCGACTGCCAGTCCTCAGTATTTAAGACAAATCACACATCACATTCATTGAATAAGCATC
GAATCTCTAGTATACGACTTCGAAATTTAATTATTTTTTTCAGTTCATTACTATTCTTAT
GTTAATGTTAGTACGGATGTAATGTAATGACTAAGCCCGATCTTTAAATAAATGTGAAT
AATTTCTTACAAGCTATGGCTTTCTTTTTCGATGAAAAAGGTATGGATAAATTCCTGCAC
TTCTTCAGCTTTAACTATATTTCAAGTATTTTATATATTTCTAGACTATTTTCAAATCTC
GCGCTCACCATAAACCGCTATGTTGGTCTTTTTGTAGGCCGACAGTACCTGGTCTTATT
TTCCGCGCACCTTCTGGTCACACCTGAGCATTGAGGATTTAGGCGTTGTTGTTGTTTCGT
CGGTTGTGAATTGAATCAAAATAGAACAAACAAGTTGCTCAACATACTGAAGGAATAGAT
>EP78784 (+) Dm MRPL2A; range -499 to 100.

GTATCGTGAGTATTGCGGGAGGTGAGCAAGCGGCTAAAACACGAGTATACGGGTTACTTA
TATTATCCGTGCAATGAGCTGTTGTATAAACTAATTTCCACACTTACCTTCTAAAAATG
TCATCCAATTTTGTTAAAAATTTAAACAAAAATCTCCGCCTTTCTTTTATTATTACAATT
ACCGAAAAGTGTGACCAGACGCGAAATAGTGGTGGCATCGAAAACCGATACATCGCTAT
CGCCAGTTTCTGATATGTTACATTTTCTTGTATTAAATATTTTATAATATTTCTCTAA
CCATTACAAGTGCCAAAAAACAACAATTATAAGATATTGCAATTTCACTACTAAAATT
GTTAAATTATACGGCCTTATACAAGAAATTGAATACATATAAAATTAATAATCACGATGT
AACGATTTACAGCTTGAACCGTGGATGAAGTATCACATCTAATATTTATTGCCGATG
GGGAGGGAATTTCTCTACCATCTGGCAGCACTGAGTTTCATAACCAAGTCCGCCGGGCT
TCATTTTCATTGAACGAAAACATAAGCAAATCTAACTTAAATGAGGCTGACGAACACTCT
>EP78785 (+) Dm MIRA; range -499 to 100.

CTCTTAAAGAGGACATTATAGAAAATATATAATATTATATGTTTAAATTTAAATTGAAAA
GTGGTTAAGATCAGAAGAATTATGCCGTCTGCAAATGACTTGTCTAATATTAAATTAACA
TTAGAATGTTTAAAGGAATATGAAATTTTGTTCAGCTAATATCTAAAAATCCAAATTTG
TCGTGATATTATTTCTATGTCCACTAATTATTATATTCAATGTTAATGTTATTAGATTA
AAATGAAAGTCTACGAAATGAAAACCATAAACCATTTTTCGTTTGAAGATCTCGGAAAT
ACCCAACCTGAAATGTTGGGTATATCCACATAGGTGAAGCAATGCAGGATCGTTGAAGC
GACCCCTGCTCGAGCGAGGGTTGTTTTCTTTCCTCCCTGGGTCTATCTCGTTTCCACA
CTCTATCCATCCCTTTTCCACTCGCTGTGCCAGCTGGAGGCTATGTCTGCCTCAGGGATC
TTGGACAGAAGGTGAGCTCAGTTAGGTTTTGACAGCGGAACGCGTAGGTACAGTGAAACG
GGTAGCAACGGGATAGCGGGTTAGTGTAGCACAGAACGGACCACAAAGTACAGATGAAT
>EP78786 (+) Dm CG16807; range -499 to 100.

TGCACTGACCATAGAAATATTATGTACATTGAATATGTACGATAAACCATTGTAGTTAAC
TGAATAAAATAACATTTTATGCGAAATTCATTACAGGAACTAAATGATTCTTAGAGGCA
AATATTTAATATGTGTTTGTACATCCAATCGAAAAAATTTCTCACAAATTCATTACAAG
AACTAAAAGTTTCTTTGAGGCAAATATTTAATGTGTTTGTACATTAATCGAAAAGATTT
CTCAGTCTTCTACCACTTATATAAACGTCGTAGTTACAAAGTTTAACTTCTTGACTTT
TGTTTTTCTAATTAGAACATGTGTTGTATATTTTAGCCATTTATACAATAAATGCTATAA
AATTAGGTTATCGAATTTCAAATATAGATAGTGATGTCCAAACGATAACTGCTTATCGC
AATCAGCTGAGAGCGCCTAGTGCGACCTTCGTGTAAGCAGTGCAGCAAGACATTCAACG
TTTTCAGCCAGCTGGATTCACTATTCCGCCGCTCGTCACCTGCGGTCATACTGATTGCAA
CTTCCCAAATTTCTTACAATAATCCAATGAAAATTAATAAACATATTTTCGTACCTTTAA
>EP78787 (+) Dm UBCD6; range -499 to 100.

ATAACTTTGGTACAAAACCTGGTGTGTTTGTATTTTCATTTTCTATTTTAGTAGTTTCAGTTTA
TAAATATTATTGGAACCTACCATAAAATTATGTTTGCTTATACTAATATTTAATATGATAA
AACGTAACCTAGCTTTTTTAGCAAGGACGAAAGAAAGGGAGACATTCAATAGAATTCTTAT
TTTTCTTGAGTCACCTGTTTTAGAGGAATACCTCTTGTTTTTGCCATGTCGCTCAATTGT
AAAATTTTTCTGCAATCGGACCCAGGTTGTCTAAAGTTCAAATTAATTTTGGTTTACAAA
TACTTCGATCAGTTTTCTGCAAGTGTAACTTACACTTCGAAAACCTCTATTCTGTAATAA
ACATCAATAGGAAACGTATTTTGAATGGTCTGGCAACCTCTGGCAACTCATATTTACGCT
CAATGCTGGCTGGGTGGCAGCTCTGTGCAACGAAATTGATTTGAGCTCCAGCTCTACGTG
ATAGTATCGGGGAAACATCGTTTTTCGTTCCAGCTCTATACCACTGCTGCCCAGATTTGC
CCTCAATTAATAAATAAATTACAAAATTTTCATCGTTACCGTTTCGCTAAACGCAACGCATTG
>EP78788 (+) Dm BG DS00180; range -499 to 100.

AAAAGGTGTCGTTTTGTCTTGGAAATAACAAAAATAAATAATATCAATTACAATATTTTTT
GAGTTGCTTACTTTATCATTTATTTGATCAATACTTCTACTATTTGAAATATTATTAACCT
GTTTTTTACGACCATTATGATTACATAGAAACGTTAAATTTTTTTTTTGAATAAACCTT
CATAAGTTTTAAAGTTTCATTTTTATGTTCTGTGCCTTTAAATCTGATATTTTCATCA
AGAAATAATCTCTATACCTGAAGTCATCGTTGTACGCAAACTTTTCTTGAATTACCCAA
AAGCAATGAGTTTTGTGTTTACGACTCACAAATTTATGGCAATGATCGATTTGCTTTGCCGA
AGCTACTGAGAGCAAACTTCGCTCCGTTTGCCACATTGATGGGTACATTGGCGAGGTGC
TGATTAGAAGGGGACAAGAGGTTGCCGGAGGCGAATGGCGGCTCAGAGATCCGAGGCTT
CGCATCGGGAGCCGATTAGTCGATGTGCAACTACAGTCGCCAGCGGACGTGGACGTGGGC
GCATAATCAATTTCCATACGTACGAAATCCGTAATCAAGTGACATCACCATGAGGTCATC
>EP78789 (+) Dm CG6910; range -499 to 100.

CACAATACATTTTCATGGGTCTCGTGCAACGACCTTTACAATCAGACTCGTAACTCAATG
CCGTGGCCTTGCACTTGATCCAGATGTAGGATGTGGAGCAGATTCATTGTGGTACTTTTT
CATAGCCACTCGATTTATCAGTTATCAGTCAAGTGCAGCTTCCAGTTTCATGAATTGATG
GAGCAAGAAATGTAATGCATCTCCAGATAAGTTGGTTTCGCTGTCTGTAGGCGTCCCAGG
CTCCTGATAAGGGGTAATAAACCAAAAGTGTATATGGAAGTTAGATCATTGAGCCTGGT
TTCCGACGTAATATTGATTGCGATTGGGAGAGGCCGACGGGAAGCGGCGCAAGCGATTTC
TCGTGTTTTGAAAAATATGAAACATACTATAAATCATTTTCAGTACACTTAGAATAGAA
GAGAGTGTACTATATGGAATGCGATTGTGAATTTCCGATGGTCGGCCGACTATAAAAGTC
GGAGATCTCTGCGTCCAGCGATTCTAAGTGTGTTGCTTCGCTCAAGTGCGCGGTTACTAC
CCGAAAATATTTTTCAAGTTCTTTTCAATTAATCTTAAAAATGAGAATCCTTGCGGAGG

>EP78790 (+) Dm TSP86D; range -499 to 100.

TTCGTGCGCTTTTCTGCTTTTGAACGCTTGCGAGGAGAAAGCGCAGTGCAGAGAAAGTC
GCAACTCAATTAGGGAATGCGCTCGCAATTGTGCTTCAATGTCACCAGCGGAGAACCG
AAAAGAAAAAACTTAATTTTCCCACTTAAATGGTGCCTTGGGTTTTCTCTAAG
CTGGAAAACACTACCTGCTGAATAGCGCTCTAAATGGTGCTGATTCTATTTTGGCCT
TTTGTATGAATGCGCAACGCGGGCGAAAACAAGCGTGCCTGCAATGTTACGCAGC
GGTGGAATTTAAAACTAATAAAAAAAGCTGCTTGGGAAAACAGTGCACGCGATGA
AAATCAAACACCTGGCTGGCTCGCGTTGCCAATCGAATGCTGGATGATAGGCAACAAAGG
CAGTACGGTCACGCGAACAGTGAAGTGGCCGCGCTGCCAATGCTGCCTAATTGGACAGC
ACGTCTGGCAACGCCGGGCACCTTTGTTATTTTGTAGTGGCTCCATAAATTTGCTTATCAGT
CATAAAATTTAAGCTAGTGCCTTAATTCATCATATTCGCTGCGGGGAAACACCAGAGTTA

>EP78791 (+) Dm CG8773; range -499 to 100.

ACAATGAAAATACCGATTCTCTAATTAGGTCGAAAGTCTGTCTGCGTAGCACCGGAAAA
GGGTTTTTTAGGACCTAAGCGCCGGGTAAACAGAAACAGAGAAGGATAGCGGGATCACG
TAGGATCGCAGGTAGTAAAAAATTGCTCAATTGGTGTTCGTGAGCCTGAGTACAATCAC
ACATATGGGCCCTTGACACTGGAAGTTCTCGGGCTCAGCAACCAGCTTGAATTCCGAC
TTGACGAGGAAAAACGCGCAGATCTTTGGCATTCTAAGTTTAAATCAAAGCGCCATGAC
AGGGTCCATAAAATTCGGGCGATTGTGAGCCGACCGGCACTCGTTCCCTACATATGTTCC
GGCTAATACCCAAAAAGCAGCTCATCGACTCGCGATTAGATTAGCAATCTGCAAACGCAG
TCAGTCAATTAAGATATAGGGGCCACTTGAGATTCCCCACTACATAACCTGTCGCTAT
TTTACCAAGGAGAACGCTTAGTTGCGCTTTGGACTCCGCTCGTGCCGGATTAACTGCTA
TGATTGTCACCGCGAAGTTGGTGGCCATTGGGCTGGGCCTCGCGCTCACGGCCTTCACCG
>EP78798 (+) Dm CG3842; range -499 to 100.

CCTTAATAGGCTTGTGAGAAAAATACCCGACACCTTTATATTAAGAGAATATTACATTAC
TCATACGACCCGTAGCCCCCTCTTAAATAATATCTATAAAAAATTAATCATAATAACATG
TAAAAACAATACATTTTGAAACCATAAAGCAGTTAAGACTCTGTAAAAGTATGCAAACGA
TTATAAAAAATGTTTGGCAACACTGCGTATGAGTGATTACTAATACGCATAGGTTCCCCA
TTCCACTTAGCACCCCTTTCTAAATAAATTCGGTTTTGTGATATTTATTATCATCGTCCA
AGCAACAAAAATATGTAATTTAGCTACACAAAGATGGCAAACAGGTCCACCCTAGTACATA
TCCAACCGCGGCAGAGGCAGCATGTTAATAACAGACGCCCTCGGAATAATTTTATTTTCAAG
TTATTTCTGACGCGTTAACACGGCTCGGAACCGCTGGATATCGAAGTCAGGCGCTGAGCA
ATTGGAATCCACGGCAGTCAGTTGCCAAGATCGCGCAGAGGCTTAGACACACGGAGGG
AGTAGCCCAAGTAAGTAGATTTTATATCACCCGTAAGTATGATAGAGCAATATAGTCG
>EP78799 (+) Dm DSH; range -499 to 100.

TCGTGTGAAAAGCGAAAGAAGATAAGGAACGCAGGCTTCAAGTGGATGGATGGATGAGTT
TCCTTGGTCAAGTTTCCATGACAAGGATAAAGACTCTACTTTTAAACAGGACACTCTTCA
ACTATGCTACATCATTATATGGTAAATTAACAATTAAGAGTTCAATATAGCTGTAGTT
TTAGATTCTACATGTTTTATGTAATAGAAATTGCTATTTTGTAAATTATAATAAATTTA
TTGTTTTGAATAAGTATTCAAATTAACGATATTTATCGATAACTTTGGTATTTAATTTT
AAAAGTGTGTGAATACATTCAAATTTGTAAGCAAATATCGTTAGAGAGAGCATTTCCTAA
TAGAACTAAATACATTGCAGTTTTTGTAGTTTTTCCATACGCTTTTTTCAAGATATTCGT
TTGAGAAAATGTTAAGAATGTTTGAATTCGAAAGGGTCTGGCATCGCCGCGAGTGTGACC
AACTGCCCCGGCGCTTTGGCATTCCGTGCGTGACGAGCGGCTAACACACTGTTTTTTTTTA
GTCTCAAAATTTCAACAAATTTATTGATAAACTAGCAATATGCTCGTTTTGCCCCGCCCC

>EP78800 (+) Dm CG3108; range -499 to 100.

CTTATTGATCCTAACCGCTTTTTGTTAGTTTCTCAAGAAATGTTGGGGGCATATCGTGCC
ATTTGATCTGTTATAGCAGTGCATATATTTGATTATTAATTTCTAGCTATGCTCCGATC
CCGAAAGAAAGCGAGAGCGGTGCGATTGTCGGTATGGAATGTGGGATCGTAGTCGGAGC
ATTCGAAGATGATAGAAATGCTGGGCGGAGATATGGTTATGCCGATGACACTTGCTGGT
GGGGATTAAACATAAGAGATGCTGGGCTCGCCGCGGCTCTCAAGGAAGAGAGCCAGC
AGCTACGGGCCTTGAAGACATTAACATACATAACAAGTTCCACTCTTTGATGGCCAGT
GTAAGCGGGCAGCGACGCCGCGCAGAGCGACGCCGCTGCGGTGGCGGCAGCG
TGGAGAGAAATATCGAAAATGAAATGGCAATACTTTCCAGCGTTGGTATAAAGCACCA
CTCCACCAATGGGACATGTCTCATTACGGTTCACAGTCAGATCCCGCTAAGATGTACAAC
GCGAGATCGCGTGGCAGCGCTGCCAACGAGGGGATTTCCCCAAAAGAATAGTACCATC
>EP78801 (+) Dm CG3273; range -499 to 100.

AATTCATACTCAGCCAAGTAGAAGTCAAATATACCCCAATGTCGGATGTAGAATTTTAA
TACTAAAAGGAAATGCCTAACATTTTTGAAAACATCATTAGCGTTTTTAATAATAAATA
TTAAAATAGCTATAAAGCGAAGTATAAATAGGATTTTAGTTTTATTTGTTTGGTTTTAG
ACCTGGTTATGGATCTTGAATAAATTTAAAGATTGTGTAAATTAGTTAAGAGATTATA
AATAAGAATTGCTTGGATACTACCTTCTTATTAAGCTAGTACTCAAGATGTCCAAATAAC
ATGTAAGCATTTAGCATTTAAAGTATAAATAAAGAAGTAAAGAGCTGTGTAGCTTAG
GCTGAGCACCTTAAGTTTGATTGATGTATATTGAAGTTATAAATTCATTTGTTGGTCTTC
TAGAAACGCGATTTCTGTGATATTCCGCCAGGTGGCAACGCCAGTCACGTACGAGGACA
CGAAGGATAAACGTGCGATAAGAGAATAGCCGATAAGAGCTCCACCCAGTCGCAAAAAAG

ATGTAATTCTCGAAGTAGCGGATATAGATCGTTTACTTTTTTATTTTTCACTCGCAACTC
>EP78802 (+) Dm CG3353; range -499 to 100.

TCCTCGATCACGCCGAGATAAACTGCCGCTTGCCATCGGCTTGCTGCCCCGTTCTGTC
TGCCATTTCTAGTAGGCCGGGAATCGGATGTGGCAATTTGCGAGGACCAATAAGTCTT
TCTTTTCTCCTCTCTTCTCAGGATTTGTATATCGTTTGTTGCGACAATTGCACCTGTG
CTATCGATAGCTCAAGACATCGATATACTGACATCGCAATAACCATGTTCACTCAATTTT
GGTTAGAATTTGGTTTTATAAATACACAAGGTGCACCCTGTTGTTTGAGCTACACGAATCT
TTGAATTGCATCTAAAAAATATCAACCCAACTAATCAGGCACTGACTATAGTTTTTTTAG
ATCTATGAAGAACTAATTGAATAAGTTGCATCTTCATGACCCATTACTTGATTTTAGCC
CGGAAGGAAAAGTTTATGAAATTAACTTTAAATATTTTATAGGAAACCTTAACGGCTTA
AATACCATAGTATTTTATATTCGTGCTCGAGGGTGCGGCCACACTGCACTACACGTGCAA
TTGGATTGGCAAAAACAAAGCCAAAAGCCGAGTAACAATGAATAATTTTGAATTCGG
>EP78803 (+) Dm CG12177; range -499 to 100.

AACACCATATATCCCATCGATTTATATTTCTTTTAAACGGTAATCAAGGAACTCCGACC
GCCCAACGGGTAAACATCTGCTTAAGGAAAGGGCATTTCGATGGCCGACCAGATGGGTGACA
GTATTTCCACACATCTTATCCGTTTGTCCCGTTCTCGCTGGGCGCGAACGTGAAATACAG
CACAGATGAATTGAATTGACACATGGTGACATACCACCGAGTATCGCTATCGCCAC
CGCACATGTCAGCTGCTCAGTTTAGTTTAGTTTAGTTGAGTTTAGTTGAGTTGAGTCGGA
GAACGAGCGTTATGAAATTCCGTGATATGGTGCTCTGGTAATACCCATGCCCATACCCAT
GCCCCAGAACCATAACCAGAGCCAGAGGCACACTCATAACCGAGGCGAGCCGATAGACGA
AGTCCGGCGGCGGAGGCGACCAGATGATTGCCGTATGTGCATACTATATGGGTAGTCCGT
AGTCCGCTGTTGCGGCACATTCAACAATTGCCGCGATGGCGGACGGACGCATAGTGGA
AACGGCAGAGGAGGAGGCGGTGAAGGAGTAGCAGCAGCACCATCGCCAGATACGCGATC
>EP78804 (+) Dm L(3)01239; range -499 to 100.

TGCTGCCGGCATGATTTTATATTTCTAAAGCTATATATTAGATAAAAAATCATTAAATA
AATAAACGGCGTTAGAAACAACCTCGCACGTGATTCAAATATGACATTCACCGCGAAACG
TAAGCAACATATGTATGTCGCTACTTAGTGACGAATTTCAATTGCTTTATGATATTTAA
ATTTTGTATTTAAAAATCTTAAATAAGAGAGTATCCAACCTAGTTTTAAAAATTTATAAAT
ATTCAGTAATTACCATGAAATGACCGTGAATTTTATAGCAGGTGGGTTTGAAGTTATA
TAAAGCTTGAAGTTATTATAATCTGATTATAAGTAAGAATAAAATTGAAATCTTATATA
GAATTACTATTAATTTATAAATTATTACATTAACCTTATGTTTAAAGTAAGTGAAGTTGTC
TATATTTTCTTTTACCGTTACACCATTTTCCACAATACATTTACGGTCTTACTGCCTTG
ACGCGCTTGGGATTTGTTAGGACGTTTTATCGCATAGTCTCGTGTTGCGTCTCGTATTTT
GAAAGAAAATCGCAGATTATCGCAATTTGAAGCGATTATCCCCGGTCTAGATTTTGAAGG
>EP78805 (+) Dm CG3309; range -499 to 100.

GCTAAATATGGTCTCTTCGTCAACCATATCAAATACTAGCTAGTTAATTGGTTAACCAAC
ACTGGTCACTTCAATTCACCTTTATTTTATTACGTTTATTAAGAAAATGCTAAAGATCTG
TTTTGTTTGCAAAGGTTATTATAATTATATTATATTATATTATTATTATTATTATTATA
TTATATTATATTATTCAAGAGATTAAATCGCCAAAGTGGCAGCGCTGGTGAAGGCAAAA
AAAAGGTGAAGTTTTGAAATGATAAATTTGCACATAGAGATGAGCAGTGATTGCAACG
GTGACAAGAAACAAGATAAATATTTAGTAATATATAAAAAATAAACAACCGTTAAGAA
AAGCTAACGAACAGTATGACTGCGCTAATTTATTATATTTAAAAACAAATGATTGTTTAT
TAGCAAACTATATCGCATTAATGGTGACTGGCGATAATAACGGTAACTGCAAGCAGTGA
ACAACATATCGCCCTTCCCTGATTCCCTTTGTCATGTGCTGGCAAATAAATAAATAAAT
ATCAACAAAATACAGAATGAGCGCGGATGCGAGAATCAAGCAGATGGCGCCATCGCTGGA
>EP78806 (+) Dm CG9977; range -499 to 100.

GATGTCCGTCGTGGATCGACAACCTGGCGGCGGACTTCATCCAGAAACACGCCAAGCAAGG
ACCACTTGACCGGAGGAATTGTGCGGTTTGATTGTCAAGAGACAGACCTACAAGGAGGG
CCTTCTTAGGGAAGCGCACTTGTTCAACACGCGGACGACTACGAGCTGTGCGGCTACCT
ACAGGAGGATATGTAGGCCAAATGTGTTAACTATTTGTTTTTAATAAACCTCGAATACTT
TGCCAATTTCTTTTGAATCATTAAATTATCCAGCTACCAGATTTAAAAGACTTGACGCT
GAGGAGTTGTAAATCACACTTTATTTACTTTGCTCATTAATAAATAAACACATAATTAAT
GGTAAGAAATTATAAAATTAATTTTTAGACGATTTAGTTAAAAAGTCGTTACTTTGGC
CTTTCTTCAGTGGGAACCTTACCACACTTGCAAGATAGCACTAACGCCTTCTGCTTTTGGT
ATTTTTCGCGTGTCTGCTTACTGTCTCGGTTGCGTTTAGTTCTCTTTTCTCCGGATAAA
ATCAAATTCATAAGCGATCGCCAAACGATCCCCACTTGGTGCACACACAAACAACGTC
>EP78807 (+) Dm TSF2; range -499 to 100.

CTCTTGATTTTGCTGTATTCCTGCGAGGGTTTTGTATTTCTCAGTGTTAACCATGGGGTCC
ACAATGACGGGGTATAGGGTGAGGCCACGCGCCACGATGCAGGACACGAATCCAACG
AATCTCCAACACGCGAGGACTGCCATTTAGCTAAAATATGGAATATTTTAGCTGACTTTT
CGGTTTGTATTATAAAACACAAAACACCTGGTTGACCGTAAGATGCTAGAAAACGCCAA
GTGTGTGGTCACACTACTGTGGTCACCGGTGAAGTGCAGTAAATACTACAGAAGAGATAA
CCTGATAGAAAGTAAAATATAAATAAACAAGATTACTGTATATATAATAAAAAATAGATAT
AGGTATAGATTAACTAGAAATATCTGAATGCTAAATATGTTTCTTGATTATATCTCA
CTTAAGCATTCTCCACTGTGTGTACCTGTTGGTATTTTTTGAATCATGTCTATTTCTGC

CCGCTCTGGTTACACTGGCTTCTTGAGCTGGGCTTGGGTGTGGTGTGTTTGTGAGTAA
TTGTTTTTGAGATAGATCTTTTGTAGTTAATACACTTATTAATATTCTTATATCCCGAAT
>EP78808 (+) Dm CG14894; range -499 to 100.

GAAATCAGGGCGGGCGAATGGGAACCTTTAAATATCGCAGCATTTAAGTTGGCCGCATGT
TTCGGTGGGTCTCTACAAAGATAGGCTTGAAGGCTATTCTCACGGTAGCTCCTAACTC
ACCTGCTCTTCGTCCGTGAAACACAACCTCCAGATTACCGACCAGCGGCTTGGCGGGGATG
TATTCACTCAATTTATAAGCTCCTAAGTCCATTTTCCCGTATTTACCAATTCGCATGGG
CAGCAGTCAAATCGTTAAACAGCGGTAGTGTGGAAAGAGTTTATTTACAGCTTCCCTTA
TCAAGGGAAGCTGTAAAAGATTAAATGTTTATTTTAAATTGGTCTTCATCTTTGCCAAAT
ACAACATTAAGGATTATCCTTAAATTATTTGTTTTAAAAATTATCTGTACCTAACATTTT
TTAGCTTGGGAAGGTACCTAATCAGAAACCTACCTTTGTCAACACTGTACGACATCGGTG
TTATCGATATGCACAGTTATCGTTAGCATGAGGAGCTTTATTTGTTGCTGAACAACAAAC
CGAAATCTCCAGTAAATTCGTAAGGATCAATTTTAAAAAGAATGGCAGGCAACGCCAAC
>EP78809 (+) Dm SPAT; range -499 to 100.

TCTAGATGCTAGATCTTGATCTCTGCACTCTGCAGATGCTTCCAGCTTCGAAAAAGAAGT
TGCTACATTACGTATACGTACCCACAGTCAAGGTTCTGCTTGTGAATTCGCTGGATTTC
TTATTTTCACAATAGACATTTGGTCCGCGAACCTTCCCAAGGCCATTCAAAGAATCAGCAGC
AGCACACTGCAAAACAAAAAATGGTACTTCTTTCAGATTAAACAATGAAATTAATTGAGTAG
TAAGTCATATTATTTTCGTAAAGATCTTGTCTTAAACTGTGTATGATTTTTTGACCCATC
AAATGGCAGTCTTAACCTATTATTCTTATTCCAAATTTCTGTGCGGCCAACGACGC
AGTTGCTCTCGATCTTGATGCCTTGATAAGCGGGAGAGCGCATCTTTACCACTTGTTC
AGTGCGTTCATCGGCGAAAATTCGCGCGATAAGCTGCGATCCGGTGCCTATAAAGTGGC
CAGCAGCCCGGCAAGCGTTTCAGTCCGATCTTGGCCAGCCACCGAGAGAGACAGCCATA
AAAACCAACTCCCATCACCAACAGTAGTAACACCCATTCTACCTGGCACAGCGGATTAG
>EP78810 (+) Dm CG12859; range -499 to 100.

ACGCAAAATTAGGATGCGGACACGAGATCTGCGCATCACACTTTGTAGGACATGCGCAGTG
AGAGCGAGCGAGAGCGCGCTTAACTGTGGTTCGGGGTGGAAAGTGCTCGCTGCAACGAA
GCAGCAGACTTTGCGAGAAGGAAATAAACTTTGGAAAACCTTTCTGTGAAAGACCAGGAT
AGCGAATCAAAATTATTTACCATTACAAAGGAGCGATTGTCAAAAAGTGACAGATTCAAA
ACTTTTCAATCGGCATGTATCGATAAGTCGTCAGTCGATTAGCCAAGCTTAGGGCTGCCA
ACTGTAATTGATATTTTCAAGCAAATGCTTTGGCCATTTTAAAGTTGAATAATTTACAG
TTGAATAATTTAATAACAGTGCAGTTATTTGAGTTTAAAGCGAATAAAACAAGTAGCTTA
AACAAATTTTAAATTTACATATATGAACTGGTATATTTGTCGGCTGTTTGGTATTTT
AGAATTTCTGTATACGTTACACCTGCCAGCTGTTGCTAAAAATTTGGTTTGAACACAA
AACAAAGAAAAATGGTTTTGTCCAACGAGGAGCAGGAGTTCATTAAGCGCAAGCACGAGGC
>EP78811 (+) Dm CG1157; range -499 to 100.

GTGTGGGTCTCGCAGATCCACCCTATATTCTCCGCTCCATCGTGAGCCCTGATGGAGCT
AATGGAGAGGAACAACCGGCCAAGAATCTGGCGCAGGCAATCCCAACACGTAGCACCGGC
GACTCCATTGAATGCCAATTAGGATACGGATAACGGTCGAGCACCCGAAATCGGGCCACT
TGCTTATATAAAATATATGTATGGTATATACAAAAAATAATATTCAGCCGGCCGACCAC
TGGCCACTTCCCTTTCGTTGACATCGCGACGTGCGTGGAATATGGTCAAGAACTGCCG
GCCAGGTAGCATACGCATATGCTTTCATATAAATTGCTTTTGGATTTTTGGTATTGCCGTT
CGGTATTGTTATTGTTATTGCAGCGGCGAGCGGTGCGTTTTGGATTTTTGGCCTGCCACG
CGATTTCTAGCCACAAAATTTGGTCAATCGACGTCAAATCGAAATGGTATAAAACGCGGGG
GCAGTGCATTCAATTAATCACAAAGCGATTCCCGTTCACATCGGCAGCACTCACCAGCTC
CAGGCAGCCGTCCACGGATTATAACCTACCCAAAGTCAAGACACCCCAAGTGCTAATA
>EP78812 (+) Dm (LCP65AG1_1; range -499 to 100).

GCATCTAATCTGGAATACTCTCTCTCCGTGCAGGATTTGAGACGGCACAGAAATGTTTC
TTTTTTTTCGAATACCTCCAGTGACATTGATCGGTGATCCGTGGGATCTTCTGAAGCCA
AACTGGTGATTAGGGATCATTCGCGCGTGTCCCGAGAATCTCACGCCAACTGTCCCGCC
AACTGTCCCGCCGATTTATCCAGCCGCTTTCAGATTCTGCTTGTGAGATTGCCATCTATT
GATAATTTTTCTTGTCTCATGTGGTTATTAATATCAGCCGAGTATTTTTGCTAGTAA
CAACTGAGTTAGTGAAACCAATTTGAACAACCTGCCTAACTTGTGATTTGCATTTTGT
GTTAGGTTTTAAGCCATTAGAGATAGCTGGTACTCAATAATATACATTTTTTACATTAT
GTTTTGACTAATTCGGATGCGTTCAGCATAATCGAGAGGTTGTCCAATTTAAGACGC
GCCCTGGCCAAACAGAGAGCATATTCTGCGCAACTGTTGATAGCCGAGATCTAAGCA
CCAAACAACAATCACCATGAAATTCCTGATTGTCTTCGTGCCCCTCTTCGCCGTGGCTCT
>EP78813 (+) Dm (LCP65AG1_2; range -499 to 100).

AGACTGGGCGTGGCAAAAAGTTTTTTTTTGGCAAAATCGATAGAAACAAGACTAATAAAAA
TGTGAAAAAATTATCAACACGTTTTTAAAAAGGTTAGGCGTGCTTATCAGCATAAATAT
ATGAGTCCAAGTAAAAACATTTATTTTTGTTGTTGACTCTTTTTGTTTTTGTGAGTTCTG
GGCACTTTTTTTTAGCTGCTATTAGTTAACTTAATGCATTTGCCATGACTTCTTATGTT
TTTTTAGCTCCAGTTAAATAGAACTACGAGAAGACAGCTGAAAAAGGAATGCGAAACTA
TGCAAACTATATAGATGAAGATGTCCGATTACATATCGTATAGGGCTTTTAACGATTCA
GCTTTAGGCCGAATTCATTTACACATTTATCACATTTTGCTTTATACACTACAAGTTT

GACTAGTTTGGCAGCGTTGGGCTCGGTCGTCAAAGTTTGTCCATCCATCTATATAAAGGG
AGTACAACCATCAGAGGGCATTCGTCGCGAACTGTTGAGAACCGCAGATCAAAAACA
CCAAAACAACAATCACCATGAAATTCCTGATTGTCTTCGTCGCCCTCTTCGCCGTGGCTCT
>EP78814 (+) Dm CG10953; range -499 to 100.

GTCGTAAACCCAACCAAGTTTCTGTGTCTGCATTCTGTTTCAAACGATTATTGTAAATTTT
CGGCTACACCAGACGCTTGTGCCAAAATACGACTTACCTAAATTAATTAATCCAGCTG
CCCAATAAAACCAAAGATGATCCATAAAATATGCCGTTAGCTGTCTGCATGCAGATAAA
TGTCATCTAAAAGTCACTTTTGGTGTTGCCAGCTAACACGGCTTAAGACCGACCATCCAT
CCATCTATCTATATCTATCTATCTATCTATCAGCATCTCAATCTTCATTCTTAGATC
CAATAAACCTATTAAGCCCGATCCATCGAGCGCTTCTTCATTCTGACGACCCCCAAAAA
CAAAACCAAGTAAAAAATCTCATCTGCGCTGAATATTCAGATGAGATGTTGACGATGATCT
GCGTTTCGGCCTGAGGTTCAAGTTTTTGGGCTCGGCTTGTATAAATAGTTAGCCA
TTGAGCCTCTTCAGACAGAAGCTACTCGATCGCTCTTGAGTAACAGATTGCAGCTGTCA
TCATGGTGAGCTTACCCACATGGATGAAGGATCAAGGATTATATTTCTAAACGCTTTGGT
>EP78815 (+) Dm CG12602; range -499 to 100.

TCACCTTATGTACGATGCCAATGTCGATGATTGATTGATCGCACCTCAATCACCTGG
TGGTGTCTTAATAAAGTCTGCATCGGTGGCAGTGCCATATCAGCGGGTGTCAATTGTTG
CAACACAAGGGACCCACTAGCCGAATAGTGTCAATCAGATAATGGAGTTGTGTGCGTGG
GTGGTTGGAGTGTGGCCAACTCGTGCTTACACTCAATCATTGATAATGCCTTGGGGAAT
GGCCGGCCGCAAGAAAATTGACCAGCAATCGGAGGTTGCTGGACTGGCATAATTGTGTTT
CGGTTACTCGCCGATTACCGTCTCTCACCAGCATAAGCCACAATCGCAAAAGTGGTTTC
GAGCGTGTGATAAAAAATTGTAGGCACAAAGATTATGAAGCTCTCTCCCATGGCAATTGG
CCCGTTGTATTGGTGTATTGTTTAGATTAGCCCCAGTCTAATTGGCCATAGGGCTCAACA
GGTCTTAGGCGTTTCGCACAGTTCTTTTCAGCGCCGCTGAGGTGGCAGGTCGCGAATAAAAA
ATTAGTAACCTACATTTGGAAACATTACCTTTTCACGTAGTGTAAGTGTAGTGATTTAAA
>EP78816 (+) Dm CG5087; range -499 to 100.

TTTCACCTTTGCTCGCGCGCGCTTTGTGTGAGTGCGTATGTGTGTACTTTTTATTAGCA
CTTTTGGGCTTTAGCGTTGTTGTTTTTGTCTAAACCATTACTTTTTTTTAGACACACAATT
CATGGCGCTTACGCTCACAAACGCCCCGATTACTGAGTACTGCGCACGGTTGCTGTTGCAC
TTGGTCGGATGCATGTTTCGCCAGCTAATCCATTTTTTCAGCAATTAATTAATTTAT
TCACGCGAACGACGCGTTGCTAGTGCTGGAACAAAAATCGATGTGTACTCGATACAGTCG
ATCTTTCTTGCAAGCGGTTATCGGTTACTTTCCCTTGGTGATGGACGCTCAGTTGAGCAG
CAAAGCTGCCCTAGGTTTCGATGCCGTGCTCATGCAGCGCGGACTCAAACCACGGTTTTAG
CTAGAAAATTGCCAACAATAAATGATCTCCGCGCTTTGGCCTATTTCTGTGGTTATTTGAC
AGTAAGCGGAGACGGTGACACTGTACCACCAATTGGAACAAAAATAAGGATATTTCTTTT
TGCATTTTGTCTCGATATGCAATGCAGAAAAATCCAGCGAGGCTCTGAATCAAGGCTCTG
>EP78817 (+) Dm CG15731; range -499 to 100.

GTTTGTAACCTACCAATACTATTATAAGATAGCCCGCCATATGAGGATGGTACTTCCCCTT
ATTTAATGATTGTTGTTTCTGTTATTTCTGAAAATTTCCCATACGGGTCTGCATTGGGAAAGTG
TAATCCGACCTGAACCGATCCGACCTGAACCTCAACTGAATTGAAGTACCTAGCCCATCC
AACAGGTGACCGACGGAGAGCGGGGTCACCATCATTAAGCGGTTTCGTTTCATGCCCGGCG
GATTAATTTTCGGCGGCTGGTCCCAATTATGGAAGTCTATGTTTCCCATTTTTTTTTTTT
ATCCACCGGACTCATTTGCATTTGCCAGCGTCGATGCGTTTGTGTTGGACCAACTCGA
ATCCAGATGGACGGAGATGGCTTTGGGTTGGTGGTCAAAAGAGTGGTGGGCAGCAAGAT
GACGAAAGCAAGTTCACAGACAGACGGAGCATCTCGCAATCCGGCTGCTATATAAACCGC
GAATCGCTCGGATTGGAGCATCAGTTGGCTTCCTCATCTGCTACGTGAAGTTCATAGTT
TTCAACCCCCAAGCAAGAACTTCCAGCAATGAAGGTGAGTCTGCTCGACATAGTGCACA
>EP78818 (+) Dm CG8317; range -499 to 100.

GCCCATCGCCATTCTCATCTGCTATCTGCTTATCCGAAGTACTGGGGAGATTAGTGTCT
TCTTGATTGGTAAGTGCATGGAATAAAGTTTAATTAGTTAACGCCGAAGATCGAAGAT
CGGTTAATGCCAAGCGCAAAACGCGGCTTATGTGACGCATATGTGATTCAATTCGAT
TCGATTTGATTTGATTTGAATTGAATTGATATCCCTGGGAAGCCGAGAAGCGTTAATTA
CGTGACCAGCTGGAGCGGCCAAAATGCAGCCAGTGCCACCAATTTGGCAATTTGGCCACA
AAACACTGGAAGTGAACCTAGGTTGTGTTTTTTTTTTATTTATTTATTTATTTTTTTT
TTTTTTGGTGGCAAAGGGGGTGTCTACGCACGCGCGATATCGGCAATATTTAGCGAAAC
CCGGGTGCGGAAACCAAGTTCCGCGGGGCGAGGGCATCGAATCGGGCCGTATAAAAGTGAA
TTGTCACAAAAATTCTGAACAGTGAAGCGCACGCTCAGCGGCGACAGCAACGAGAATCG
AAGCCAACCAAGCGAATCGATAGCCCCGGGGGCAACAAGGTGTTAAGCGATCACTGAT
>EP78819 (+) Dm BG DS07295; range -499 to 100.

GAATTTTTGAATTTTTCGCTTATTCTCGGGCTGCCAGATAGCTGAAAACAGTTTGATGTT
GGTATTTTTAAATGAAGCCCTGGCTTTACAAATATAGGAAAATATTGTACAATAGGTGGT
TTATTTGAAAGTTAATAAAATAACAATGCTCAAAAGCTACAAACTCGTTTTTCCTTATT
CTAACTTTTCTAAGTTTAAATTAGAAATATATTTTTAACTCTTTCAAGCATAAAGAT
CAAACGATAAGAAGAACTTAAAGATTTGATATTAGTAAAAATGTTTTGGGCAGGGTATAT
AATAAGATAAGATTTATTTTAGGTACAGGGTTCACAACTTTTTTAATTCATTGGGATT

GGTGAATGCATAATATGGGATAGAATATTCTTGAAATACCATCCCCAAGATTAACGGTAA
CTGGCAAGTGTGTCATCCCTAAGCGATAGGTCGGTTACGACTCGCGCATCGCTGGCACGAGT
GGCGATGTTTTAAAAAATCAATATGAAGGCCACAACGTGCGGGAGTTCGTGAAAGTTTA
GCTAGCGTTATTAGTCAATGATGTCGGGGCGTTGTGCACTCGAATTGATAGCCGATAATT
>EP78820 (+) Dm BCDNA LD24793; range -499 to 100.

GAAAGACTTAAAAGATTTTACGTGCTAGACCTCCCTGACAGGTTTTAAGTATTAACATG
TTATGCCTAGAGTATGTAGTAGGGATTAATGGATACTACTGCCTCTGTTAATATAAGAT
TAATTATAAAATGTACTTATTGTCATACCTTTTTTAAGACAGATTGTAATAAAAAAGAGAG
AAAAAAAACCTTAGATGGGAGGTAATCATTCCAAATAATTTTCCAAGATCATAGTCATT
TTAATCACAACATTTAATCACAACATTATTATAATCACATATTTATTATGGTTCTAAACA
TTTTCAAAAGTGGATATTTCCCATATTATTAGGATATTTCTGGAATATGAATTATAATAA
TTTTTAATGTTATGTTATATTTTATGTTTATATAATTTCCGTATTTACCTATTTCCGCCG
TTTCATTTTCGTTGACAACCTCGTTGTCGTCGTTATCTTGACGCACACCGTTATTCAACAC
TTTTTCTCTGAACCAATATGGCGATTGTGTAGATCTGTGTGCGTCGTTTTTGCAAAGT
TTTGTGAAATTCACGCGCTCCTCCTTAAAAAAAACGCTTTAAACACATTCTTCAGTA
>EP78821 (+) Dm VIMAR; range -499 to 100.

GGGCGTCTTGGGATCACTGCAAATGCTCGACGCCGGGCTGCACCTTTATTTTCGTTCACTT
TCAGCACGTTTTTTTTGTGGTAAACAATTTGTTGAGTGAGTGGGATGTGCCGACCAAGTGT
GCCACCAATCGATTAATGGGCAAAGCTAGCTAGAAAATAGCTACTTTCCGATTGTGGTGG
CAAATCTTAAGTTAACGTTGAACTAAATCACTTATAAAGAATTGATTTTTTTCTTTAAA
GCTTATATTCTAATATTACTAGTCACACCCAGAAATTAATATAAAATACAAATAGTTT
CAACACTGATCGATACTTATCGATACTTTTTGGAAACAGATTATAGTTTTTGGAAATC
CAAGCATTAAGTCTAGACATTCTAGAAATGTCTATCGATGTTAATAAAATGCGTAAGCA
TCGATATGGCATCTCTCATTGGAGGTATCGTGCAGCTCGAGCTCTGCGGTCACACTAGAA
TTGCAAGTTGTTGGTGTGAACGTCTGAACGCGATTTCGGAATAACGGATTACACGGATAAT
ACGAATTATACGGATATTGCGGAAGTTGAACGGAGACGCGACTGAAAGAAAGCCGTGAAA
>EP78822 (+) Dm CG9691; range -499 to 100.

AATTAAAATTGCAACAATTTTTTTAATTGAATTCAAAACAAGCTTTATGAATTATTTAT
AATAATTACCGTTAATCGCAAGTTTTTTTTGTTGATTAAGACTATTATTTAATAATCATA
GATATAAATATTCTAATAAATAGACAAAAACGTTTCAAGCTCAAAGTAATGAAATTCAT
TTTAACAAGCTAAGAAAACACTATAGATTTTTTTTTAATTTTTTATGTTTTAAGATAAAC
ATTATATAGTTGATCTTTTCAGGGCCTTTAAAAACATCTATCTACTTTCTCGCAGTGCAG
TAAAGCTTACATTACAAAAAGCTAGAGCAGCTCGATTGAGTGAGCGCCAAACAACCGA
TCGCACGAACGCAACTTGTGTTGGGATTTAGTTTTTCAGCCAGGGTGGATAAGTTGCGGCGG
GCGGGATGGGAGGGGCGTAACCGGTTGGCGGAGATCCGAGATTTAGATCGTAGACCGCC
GTCTCGGAGCGGAGCGATCAGTCAGTCGCGTTGTCAAGCTGAAAGCGTAAAGATGAAATC
GCTCGTTGTGTGCTCTTTGATCGGATTGGTCTGCTTATGGCCGCTGGCCAAGTTCGTGC
>EP78823 (+) Dm CG17195; range -499 to 100.

ATCACTACTGATGGATTAATCAATTCTGTATCATCCATTCCAGATCACCCAGCTTTGCA
GGGACTTTGGTATCTGACTGGCTGACTACGGCTGCCACTGCCCTCAGCTACGTCATGAA
TCGGCATAATACCTTTAAGATTATCAAAAAAAGACGTAGGGCCGGGCATTTCCGCTAAA
TATCTGAGTACTATGAAGGAGTAGTATCTCTCCTTAAGCAATGATTAGTATGTACCATGT
TTTCTAAATGATTAACATATTAATTTAAAAAAATCTATTTTGTTAATAAATTTTAAGTG
TTTTTCCACAATTATATGATGTTATGAATTTACAAAGGGAAAAATTTAAATTTGTGATAAA
AAAAAATACTTTGTGCCAGTGTGACCAGATAGTAGGAAACACAGCCATATGGTAGAGTGAC
CGCTCAAAAATACCGGAAATGTTGCCACTAAGTATCGATAAAAAGACGACGTTTTGCCA
TCTCTAAAATCTCCCTTCTTTTCTTTTCGCCGTTTCCGGTGAGTGGTGTGTTCCGCGT
GTAAATTTTGTTAAATTTAGCCAAAATATAAATTTCTACGCTGCGGTAGGAATGCGAGT
>EP78824 (+) Dm BEST LD10347; range -499 to 100.

GACTAGCCATTTTTGTCAAATATGCGAACGCAATTTCTGTTGGGGAGTACCAATGGGGACT
GCATATGAAGTCCAACAAACACAAGCGAAGAAAGGAGGGACAGCGCAAGCGGCAAAGGGA
TCACGAAACAATGCTCTCAACGGATCTAGCGAAGAAGCAAAAGGAGGAGAAAGAGGAGGC
AGGAAAGGCGGAGACTCAGCCACCACCCAGCCGAGTCAATGATACTGATAAGGCAATGTA
ACACTAGACGCGGCTTGGCAATAATGAACCTACGTAAATTTGAGTCATTTGTTGTTGTT
TTGAATCTCAATCCACCGTTTTGCTGCTGATGCAAGCGGCTTGAGGAGTATCTGATAAC
CCTACACCTCGCTAATGGGGACCACAGACCGCAGGGGAGGTCGTTGCCTAGCCAGAAAAG
CGAAAACGCGTAAACATGTTTGTGCACCGAACAACAGCCACACAATCGCCATCGCCCA
CTGACTGATCTCGTCTTTTCATTTGCATTTAGTTGCCAGCGGTTAGACGCAATTAGAG
AAACCAATCATCAACCATGAGCTCCAGCAAGATTGGTAAGTCTGACAGGATCCTTTCTCG
>EP78826 (+) Dm CG6758; range -499 to 100.

AGAGTATTCCTTATCATGTTTATCTTTCTCGCTTAACTTTTTCTGCAGCAGATTCCGCAA
CTGAAAGTTATAGGCTCCAGTTGGATAACCTTGTGATCAGCTCGGTTTGAGTCAGTTT
TTCAAGTGCCTCTCGGCTTAAGCCTTTTAACTGTTTATTTATCACAACTTTTTGTGATT
TGTTGCACTCATTTTGGCGGTTAATGAGAAATAACAATTTAAAGCAACACGTGAAATT
ACTTTGGCTTTTGCCATTGCTACGAAACGCGCACAACAGAGATGAGCAAGCTTTGCTAA

TAGCGCAATCCACTGGATGTTGCATGTTGTTTGTGTATGAAAAAGCTGTTTGGCAATT
TGAACAATAAAGTAGGCGAATTTACTTGATTTTACGATTTTTGAAAAATAAACCTTTAT
TAATAATCTGTCATTCCAAAGTTGATCAGAAATAAATATATGATATGAAGCCTGTAATTT
TGGTATTTTTATTGTGACCATTGTATGTTTCTGACTTCAGCACGGTCACACTGTTGCA
GCTACTGTTTATGTTATAATTTATTTTTGTTGTATAAAAAACCCGAAAAATCATCTGGAGTT
>EP78827 (+) Dm CG14172; range -499 to 100.

ATCCCCACTATATATACATATATGTATATTTATATATATATAGAAATTAAGATAT
AGATAGATGCGGCAACACCTTGAGATATTCTGCCGCGAGTGAGGGAGTGGGCACGATGA
TAAGTATTTCAAGGTGGGGCCCAAAATCACAAAAAATCGAAGGTGTGTAACAATGCC
AACCAACAGCTTGGGGCGAAGGTGGGTATGGTAAGGGATCCATTCCGATCAAGATCTGCAT
ACTTAGCAGATCCTCGCGGAATATACCCATTTGCATGGCTATGCCTCTAGATGATATCTC
TGAGTTGCTAACGCTCTCGGAGAAGTCTTTACTTTTCGCGTATCTCACGGATTGAGTTCA
GATTGAGCTACAGCTGAAAGATACAGATACGAAAGTCGAGTGTTGTCGCAATGTGTGGGT
TGGAAACCATACGAGTGCCCAATGTTTCTACATCTTGGCGCTGGCTAACAAATTTCTC
TGCATTTCTCTGGCTCCTCACTTAGTAGCATACATCGAAGGCAACATATCGCAGCGCA
ACGATCAACGAATTAGCAAATAGAAATAGCCAATAGCTATAATAGAAAATAGAAATTA
>EP78828 (+) Dm E(DFD); range -499 to 100.

CTAAATATGTATTATTATTAATACCGCTTACATAACTCTTCTCGCAGCATTGCTTTAG
CTGGGGCGATGGAAGGCTTCACTTTAAGAGATAAATTGTAAATTTTTGTATTGAATTG
TATATTTGTAAGTAGCCAGCTAAGGGTCAATCAATATTACAATTACGGGATCTATGAGGC
ATTTGGGAATAAAAAAAGACATCGTGCGAAATAAATTAATAAATCCAGAAACATTTTATG
TATATCATCAAATCAGAAACGTTAAAAAATGCTAATGAGTGCTTGTAGCAGATATCAAA
ATAAAAAGGTTGTTAACAGTATATTCAAATGCTACTACTAAGTATATTTAATGTTTATTC
TTTTCATAGCGGAACACGAAACAGCAACTGGAATACCCTTAACGCAGCGAAACGCATTGCC
CGCCCAAAATATCGATAGGCGAAAAAGTATCGTTCCATTCCGCCTTTGGAATGACTGTCA
AACATCGCTTTTCGTCTGTCACTTTCACTTCCGTTTGTGTGAGTCGCTTGCCTTTTTTCG
TGTGGGAAAGCCTGAAAAAGAGAGAGTACGGCAGCGACTTAATTGTAAATTTGCCACAAA
>EP78829 (+) Dm CG33105; range -499 to 100.

ATCATTTACGCTTTTACAGCTGGCCAAAGGTGCTGGAATTCGCTATACAGTCTGCGTCTCT
GGGTCTCTGGCTTTATTTATGGTAGCGTAATAATGATCAAAACATTTGTCTTCTGCCCCG
TCATCCTCATCCTTATTTTCACTTCTCATGCTCGTCCCCATCCTCGTCTGTTTTGTTTT
CGCCTGCACGCCTTTTCGAGTTTAACCCGCTGCGCGGCATACACGGCGGATGAGCAATGC
CTTAAAGTTTGATTAACAACTTAATTACATTGCCCTCGAGCCGTGGAGCCGTAATTTAAA
CAACGTTTGTGCAAGGTAATAAGCTTGTGGATTGGAGTCACATACCGAGGTCCTGGAGC
AGGATAAACCACAAGGAGCTCGACATGTGTCTCGTCCATGATGATGGTGCCTCAGAT
TGTTATGGCTGTATATGTGTATGTGGATGTGTACGTATGCTATCATGCTGCATTGTGAAA
TCAATAAACCAAAGTCAGAGTGAGGCGGTGATGATGAGGCTGCCCCGGCTGGCATTCTGA
TGAGCTTGCCACTGCAGCAGAGATACCGACACCAGGCCCAACTCTGGCCTCTGATGCAT
>EP78830 (+) Dm CG33054; range -499 to 100.

TCTTTCAAAAACTAGAAATGGTTATATATGATTAGTGCATTTTTTTTTTAATTTAGCTT
AAAAACAGCATACTTGTGATTTAAAAATAAAATTTCAAAAAAGATTCAAACGAGTTCA
GTAACCTTCGCCCGCTTTAATCTTCTAGGTCTGAAAACATGATCCATTTTGAAAACCCAA
ATCCATCTGTGCTTGGCAATTTACTCCGCAAAACAAATGACAAAATGAATTTTCTAACACC
ACGATAAACACAATAGATTAATAATCATATATAAAATAAAATAAATACTCAAGTCGTATA
GTATTAAGTGGAACGATGTGTTTTTACAGTGCAATCATTAACATTTGGAGCCCCGCG
GCGGCGCCTCTGGGCGAAATGTTGTCACTGAGGCTCGAAGATCTCGCTGGGCTTTCCGC
CGGCACGTCGCTTACCCATAACCCATAACCCATACCACCATAACCCATGCCACATCCAC
ATCGAGCTCCGATGGCGCATTCCGCTGCAGACCGCCGCGGAGGTCGATTAAATAGT
AACCTCCAAACGGCATTGTAATTTGGGAGTGGGAAATCGGCGAATCGCCAAAATAAACAA
>EP78831 (+) Dm CG16750; range -499 to 100.

GTTACATTTAATTTATTTCTACATGGCTTCTCTCCGTTGACTGGCGATTTCTTTTTAG
CCTGTCTATCCTTCACTTCCCTTTCTAACCCTTTCTCACCACACCAGCAATCAACGCTC
TTTTTGCGTTAACAGCGCTCGTTTGGGCTAGAGATGAGACCATGAGTTTATGTTACGTCG
TGTCACGATAAGAATTTTATTTTACATACATTTCCGTTCAATTTGCGTTTGATTTTATTG
TCAAGAGGAGAAAAACAAATGAAAATAATTTTAAACAAACATTGTATTCGATTTTATA
TAAATAAGTGTTTCTTTTATAGCTAATGTATTGAAAATAATAATCATTTTCGATCATTTCA
ATCCTACATACTCCTGGTATTGTTAACTGCTTTCAACCGGAGAAGTTGAGTGACAGACTC
ACGCTCTCATACCAAATTTGCCACCAACAGAGCTCTGTTAGCTCGCCAGTCGCAGTCATC
AAGCGTTGCGAGGTCCGCTCATTTCTGTTAGAGTGCTTGGAGACTTCACTTTCGCTTTGG
AGGATCAGATCCACGTTGGTTTTTGGCTTCAATTACCCACAACCTGTATCTGTCAGCCCA
>EP78832 (+) Dm CG33129; range -499 to 100.

ATTGGATTTTGTTTAAAGTACCACCCACACTTAACGTTAATGTGTTATCTAATATTGA
ATTTCTATCTTTTCTAGACGACAATTGGACCAGTCTACCCATGAGTTGGCTACGTCGA
CTGTGTATCACTCTTTTCTGCAAGATGTGGCGAATCTGAACGAAGAACTGCAGGGAAGCA
AGAGAAACGAAGGTCACCTAGATGATTTAAAGGAGGTTTTGTTGGTGAGTGCGACTTAAG

TATATCACTCGATTCCAAGCATAAGGCTCTGATCCCAGATCGATAAAAGGTGAATGTTGA
ATGTGTGTTGTTTTATCTTTTATAGTTTTATTGGAAAACCTAGTATATAGGTAATATATTT
ATTTTGTAGCTTTTTTAACCCAAACTTATTATTCAAACCTAAATGAAATCAGAAACACT
ATAAAATTTGAATTTTCTCACACCTCTGGTAACACTGTTTAAAGTTAAGTGGTCTGGCTTAG
TACATTACGTACTCTGGTCACATTGCTTTAGTGAAAAGAAAAACGAAGGTATAAACTTGT
AGAAGTGGCGTCTAAAAGTGAATAATTTATTGCAATCGGTGCTAAAAAGAATGATATGAG
>EP78833 (+) Dm CG33184; range -499 to 100.

AAAAATTGTAAGTCTGCGACGTGTGAGCGTGACGCATGCTGTACACTCTTAACCACACTTAA
ATGAGGGCAAAGCACTCTCGCCGCGAGCGTGCGAGTGAGCGAGATGACTATACAAGCAG
CATCTGGGCATAGCGAGGCGAGGTTGCTAATGCCAGTGTTGTACAACCATCGGCGGTCTAT
CGTGAGTGGGCCCCGTTATCGTATCGTCGCTCAGCTGTTACGTAGCGTGTTTGTACGTC
GTAAATTTTGTGCGGAAAAACCGCAGAGTTTTCATTGCGCCGTGAAAAAACATAAAATA
ATGTCTGTGCTTTTCAAGTGGCGCATTGCGGCGTTCGCGCGGCATTGTGTCCGCCATTGGC
AAGCAGCTGAAGAGCGTGAATTTGAAGGGCGTCAAGCGGATAACCGTGCAAGTTCGATCCA
TTCGCGGAAAAATGTCAAGTCCACACGGTGAGTCGGAAGAGCGCTTTTACCGATATCGAT
AGCGGGACATGCGCACTACACCCCTATTACCACTCAAATTGGATAGAATTTTACGAA
ACCGAAAGGAAAAAGAAAATCATACTAAGAAGAACTGAGAAAAACAAAAAGGGTGCAG
>EP78834 (+) Dm CG7217; range -499 to 100.

CTGTTTAAGGGACAGCATCTGCGGGGATTCCGCAAGCACTATTCCGAGCCCCCTAGCTGA
GCGTATGACCAATGAGTTTATGGCCGACTTCGAGCGGAAAAATCAACGAGCAGAGCCTGGA
CGACCTGGAGAGACTGGCGGACAGCATAGTCAACAGAGCGGCCACATAGCGCCATTGAAG
ACCCAATACCAACCACCACCACCCCTCCAAAAATATGATGGAAGTCTATCCTTACAGCA
TAATATTTTTATTTCCCCCTTTAAAAAAACAACTAACTAAAAATATGAGGTAGTAAA
AATTAAGACTTGACTGAAAACACACGGCCCATATTCTTTTTGCGACGGTCTGGCAACGC
TCCACCGGCCAGTTGCAGTCTTTGGCTGTGTGCGTGCGTGCTGTGTGTGAGAAGAAG
AAAGAGAGGAGAAATGCGTGTGCTGTGCGCAAAATTTCTTGGCCGAGTTGTTAACTCCGC
GCTGCCCAACAAATCATTTCACTGCGATCCCTGTCCAAAACAGTGCAAGCTATGGTGAA
AGTAAGTGCAGGTTGACCGGCAACGCGGATTTCGGCTGTGCGGCAGTCCGATTCCAT
>EP78835 (+) Dm CG33095; range -499 to 100.

TAAACGTGAAGAGTTATGTATGACATAACTTTATAAAGTATTGAAGCAGATAATATTGAA
ACAAATCCGATTTACATGCACAAAATATTTAAGGGCTCTTATATATATGGGCTACTTCAT
AGCTGGACACATCTCAAAACTGTGGATACTTTTTATATAAAATTTTCCCAAATTTACT
TTAAAAATTTCTTAAGTGGTGTGCTGCAATTTTGAACACGCTTTGTGAGAGTTTTTAAAA
ACTATTTGAGATTTTGCAGGCACACATTTTATGACAGGTTTTAAATCATCATTATTGAAA
TGTATTTGCCTAACAAGGCAATGAATATGAATGAATAAATATATCCCTCGTTCCGATTTC
CAGTTCTGTTCTGGGAAAAATAGAGATTCGATTGCTGCTGTTTGTACTCGCTGCCCAGG
CGGTCACACTAAAAATACCAAAAGCGCCGTTGTTTTTAGGGCGTTTTAGCCACCTTACT
TCTTTGTGGTTGTTGCTATCTACATTGCCATTTTGTAAATGTGAGTGTACCAATTTTC
AGTAAGACAATTTACCATTAACCGTTTCGATTATGTTGAATTCGTGTGCGAACTGAGCC
>EP78836 (+) Dm CG33085; range -499 to 100.

CGAGGTTTATGCGGCAACAAGCGTCAGAGGCTACACACACTCCAGCGATTTTAATCTTGG
TTGATAAGCGGCTATATGACTCCGACGTTGAGGGCCTGTTTGTCTATTTTACGCCAAGT
CAATTAATAAATAAAAAATCATATAACAGCGAGCAGAATTGTAGTACATTCTGTACGAGAG
AACAGGGAACAGTGGTCATATTGCTTTGAAATTTTCAAAAAATTTAACTCCGTATTGA
CCTAGATTTTATAGCTTTGTATTAGTTGACAAATAGTACATAATCCATATTTATTTGAAT
TGAAGCAATCTGTAAATACTGGTTATTTTTTAACCTTACTTTTCACTTTTACCTAAAGT
ATTTACAACATTTTCATTGAAACTACTGTTCCCACTGAGAGAATCTCACTTTTGGCGTGC
CCCAATCATTTAAAAATGAGCAACTTTTGTTTTAAAGATAACATGGTTGTACGACACAGT
GAAGTATCTCGAGCAGCCCCAGTAGTCAAACAACGTTACGCCAATCGGATCCATCATG
ACCCAGATCCCGAGAGCTGTTATAAGATGTGGGGTGGTAGGTTACCCGAGGGGCCGCAT
>EP78837 (+) Dm CG4658; range -499 to 100.

GGCCTCCGATTGCGCGCTGCAAGTTGGTCAGCACGGTGGACTGGGGGCGGTACGGCAA
GAAGGCGCTCTTCCGCTTGGCGTCCAGCACCAGCATGGAGGTAGGCGCCGACCGCACTCC
CTCATCGTCGTGGAATTCGCATTAGTTTGGATTGTGTTTGTGCTGGTGCACCATTTGTTT
TGGTTATATTTACCATTAATACCCTGTATTGGAAGCCCCAAAGGTATAATAGCTCGAAC
TTAATGATATACAAGATTATAAAATGCCATCTTAATATAAATTCCTTCAATATAAAATTT
AAAATTGATTTACCGTTAAAAATGTCTCGTATTTTAAACAAATAAAATTTATTTATGTCA
AACGCTAACATAATCATAAACTAGAAAATAACAGGGCATCATATAACTGGTACACCTAT
CTTCTAGTTGCTGTAGATTTTCTGTGGTGTGGTAAAGCCACATTGTAATCAGCATTAAAT
TTGCAACTCCAGCACGGTCACATTGATTGGTTTGTGTTTTATTTTCTCGTTTCAAAGCTT
AATTTGCGTTAATTATGTAAATATATTTACCCGATTGTTAGCACTGTGTTGTGTGTT
>EP78838 (+) Dm TPI; range -499 to 100.

TCTTTTACATATGCTAGTATAGCGGATTTTGGCAAGCCTGTTGATAAAAGCTTTTCCAGA
GCTTTTGGAAAGCGACGCCAAAACCTATTGGAGCTCACTTGCTCAAAGTTCCCATCAGAT
GGTTGGAGTCACTGCTAAATCTAAAACCGCAACATTTTAAAAACCCCAACAAGCCGTTT

ATATAATTTTCAGAAATAACTTTTACTACTCCTTACTTACTATTGTAACCACAATAGAAATG
CCGCCTGGAGTACTCAATGATCTGAACAGGAACGGTATCCAGTGCATTGCATCAGTAACG
CTTCTCCAGCGATTCCCGTATCATCGGAACCAACACCATCCCCACCATGGACCAGAAC
CGACCCACTGTGGGTGGTGTACGGCGGAGGTACTAAAAGCCGTCGTTTCGGAAGCTCTG
CTGGGCAAATTCACAGCTGTTTTCCCAAAGCTTTCAAGTGCCAGTGGAAGACTTACGAA
GGTCAAAGAAGGTTAGTACATAAGCAGACGAACTTCGAGGTGGGTGTGTCTGTGCC
GGGATTAATCTCGAATCTGGGAAAAATCTGAGTGGAAGTGCACGGCGAGCCTCCAGTC
>EP78839 (+) Dm UNK; range -499 to 100.

TTGACAATTTGGAGCGCGACTCGGACGGCATGATTACGCTGGAGGACCGCTTCTCATGA
TGGAGGCCAAGAAGAATGTGCAGACCTTCTGCAGCAGTACCATTTCCGGATCTTCTACT
CGTTCATTAAACTTAAACAGTTGGAGGTACGCAATATCGTCTGGATTAGCGAATGCATAG
CGCAGCGACAGACGGACAGAATCAACGCCTTCATTCCCATACCTTGGACTAGAAACGCT
TTTGCTTTCCTTCTTCGAAATGTTTTCCCTTTGAAATGTGTGTTATAATATATAGGCGTT
GTTATAAATAAAACACATGCATAACAATTTTCGATTAATTTTGGCGCCAAATTTGTTTCG
TTTGCGTCCCGGCTAACCAACCATCAACTGGGGTGTGTGATTTGCTAACCAATCGATAT
GGACGATGCCGACAAAAATTATCGATATCAATCGACTTAAGGCCATGGATGCCGACGCA
CCGATGTTTTTTGCACATCACTAACACGATGTTGGCAAATGAAACGAACAAGCTGCTGC
TTTCTCGCAGCAGGAAAAACCAATCACTACACGTAAATAGATGCTAACTAATGCAAAAC
>EP78840 (+) Dm CG33084; range -499 to 100.

GAGCACCGTAGAGTTGGCTTCCAGTTGCACCCAGTCGATGGCCAGCGTCGGCGTCTCCGC
GATGAACACTCGCCGAGGCTGTTGGCCCACTCAGTTCCGTGTCCTCCAGGACGAACTT
TACGTTGTCGTCGTCAGCTCGGTTATCTGCACGGACGGCTGGTTGGCGTACGGCATTGC
GGTTTTGTTTTGATGAAATTAAGGGTCACGAAAAAATAACCCGCTCAGTGAAAAGGAA
GCGATGGAAGTGCAGCAATAACAGCCGGCGATAAGTGTGCCGTTATCGATTGTTGTTCTC
GTTTCGGATTTATAGCTAGATTTTTAACAATAAGGGCTGGATATATTAATGAACAAAT
GTGATGGAGACATGTTTAATTAAGTAGATCACAATAACAGAAAATTGCTTTAAATTAA
GATAGAATAAACACATAAATCAACATTTTTGCAAGGACAATACTTTTCAGATAACATTTA
GCTGATTGTTCCGAAACTCAGTTCCACCTCTGATTTTGTGCTGGTGAGAATGTTGCGTCT
GTTTCAGCAGCCGTTTTTACTGCAAAATGCAACAAAATCGAATGAAAAGGCCACTAAATT
>EP78841 (+) Dm CG33080; range -499 to 100.

CAAATGCGATCCACGAAGTGGGCTTATGGCTAGAAAACGAACTTAATTAACCTATTCACT
GGGGCAACAGTCGCAGAGTTCAAATAGCTTTTAACGTTTCGGTATACGGGGCGTATTAGCA
ATATCTGCGTAACCAAGCGCACCCGGATCACAATAACACTGAAAGATTTGAATTTCAAAAA
CCGAAATTTCTAGCACAATTATTTGGGGCTCAGCATGATGATTTTAAGTTTTTGATATCTAT
ATTTTTTCATTTACACTGTTAACTGATTAATTTAGCCATAATATATATGTATGTGCAACTG
TGATTGAGCATTTTTTTTTTTTCGATCGGTGTGTGCGATTATCGCCGACCGATGATAAGC
GCTGATTAAAGGCAACAGCGATGGCAATCGAAGCCGCCGCTCACTGCCCGTCTCCCTC
TGTCGGCGCCGCCAGCGCTCTTTTCGCTCCGCGGCGATTTCGGGTTCCGGTTGCCGCG
CTCAACCTTTTTTTTCATTCGCCAGTGGAAACGCGATCGCGTTTGAACGACGCCGCTGGA
ACTGAGAAGCGCGCGGTGAAATGGCTCAACCATCGCAATCGGGAGCCGCGCAGGCGCTCA
>EP78842 (+) Dm CG32951; range -499 to 100.

CACTCACCGACTTCTGGAAGTCTGGAGCCATTTGTTGGCCTTCTCCTGCTCCTTGGGAT
TGTTGCCTTGGAAGAGGGCGCTGATTGCTTGGTACACCAGTCCACCGAGTACGTATCCA
TTTCATCGGCAGCTTAAATCAGCGCATAAAATTTCTTAATTACTTATTATTATACTTTAT
TAGCGATGGCTGATTGCGTACATCCCGTGTATCGATAACGCAAGGAGGTGGCATGCGATA
ACTTTGAAAGGTGAATGTCCGATAGTCTGCAGGACTTTTTGAAATTATTACGGGTTGTCA
AGTGCGTCAAACATTAAGGACCATTAAAAATAATTAATAATTTTTACAGTCAAATATTT
TTTAGCTTATGTGAATTCGTTTTTTGAGCAATAAAGCTACTCGTTTTTATATCTTAATA
CTTGCCACCCCTATGTAGTCGATACATCGATAACCATGGTTGCTCGCAACAACATCTCTA
ATCAGTTTTTCTGATCAGAATTTCTGCAATGGATTTCGACAGCACCGTGACTTTCCTTGGAGG
AGAACACGGAGAACTTTTGCACGAATCCCACGCGGACATCCTCGCCGAGGGCATCACCA
>EP78843 (+) Dm ACP1; range -499 to 100.

ACTCACTGAGAATGCATTTTCTGTGGTGGTGCATGTTTGAAGTGGTGCAGGAAATAGAGGTT
CACTACCGAGTTAGTTCATTTTTGAGAGGGTTATTGTTAAAAACCCACCTTAAAGATAC
AAATTAGGTAACCTAATCTTGTACAAATCCTCTCTTCTCATTTATTTTTTTATTCTT
TAGAAAATAAATGTACGTATTTGATTAGTACAATAAGCTAATAACAAAGTATTGTAGAT
GTAGAAGTAGTCTTGAATTCACCGCTTTGAAGGCGTTCAACCTAGCCGTTTGATCCGA
TTCGATACGATACGATCCGTTGATCCGAGCATGTCATTACAGCTGATCATATGCATG
CGGAGCAGTGTGAGCCGTGTCCACCATGTCATGGTGTGTGAACTCTCACTTTTCATGAACC
CTCCGACTTGGCGGTTTTCTATTGCTGATGTGGTCAGCAGTTGGGTATAAACTGGCCGG
CAGCTCCGTTGACAGATCAGTTTCAAGCAAGAGTTCAACCAGAGCGCAACCCAAAACCCA
CAAACAGCACCATGAAAGTGAGTTATCAACCGATTTATCCTGATAATTAACAACAACAT
>EP78844 (+) Dm SYND; range -499 to 100.

GGAAAGCCGAGTTCCAGAAGCTGTTTCGCTTTGGCCAGCGGAAGTGTGCAATTGGATCGCAC
CAAACCTGGCGCAACTGGTTCGCAAAATCGAGTTTATGCTGTCGATGTGGCGCGGAAGA

AGTCCTTTAAAGCAATCCTCTAAAATAAACATTTCAAATAATTCTGTTTTATATTGTCC
ACAAAATTTGGAGCGGTATTGACTATAGATTGATTGTTATTTTATTGTTTTATTTACTT
GGAATTTAAATACAACATATGTATAATTAGTGTACACATTTTGATTGGAACTTCAGTATT
TTAAGGACTTAAAGAACAATTTGGTTTAAAGTAAACTTGACTTTGTGCTAGTACTGTAAC
TAGTACTTAAAAATATGTACAGATGTCTTAAAAATAAATGTATATCTAAATACATTTTCG
GTATTTTGTATTTCGTATGGAGCGGTATTTTCAGCTAGCCGCGAGGTGTATTTGAATGGT
CGCGAAACGGTCACACCTCACATAGTTTTTTTAGTTGGCGATTCCAGACACACACTCGAG
TTGTAGTGCTTTTTTACGCTATTTTGTATTGGTAGGTTGTCGCCCTGCTTCGGTATGAA
>EP78845 (+) Dm CG5853; range -499 to 100.

ATGTACAAAGATCAGAAACTGAAAGATGATTCATCTTATTATATAAATGGATTACCACTTC
AGTAGCTGCAGTAGCTTAAGTAATAACTACTTTAAAAACAGGTTTGTGATTGATTGATAA
TCAAAAGATTTGTTAAATAAAGTTATTTACTGAATTTAAATGCATACTAGTTGATTTATT
TCCCGCCATAGATGTAGAGCTGCCACCACTGAACGCCTTCGATAAAGCCCGCGCTCCACA
CACATCCACACCCACATCCACTTGGGGAGCTGAGATACACGACACACACCCGCTGAGACA
GCCGATCGTGTCTTTGTGGCCAGTGAGTCGTGAGTGGGCCGACGAAGCGATTCTCCGA
CTTCTGGACGATCGGTTTGGGATCGGAATGGGTATTGGTATGGGTATGGGTATGGGAAC
GGGAACCTGCTACCGTCATACAGCCATTTCGGCGCTGCGAGCACCAGAGCTAGCTGGGATCAC
TGTTTGTGACTGGACGCCAGTCGCGCACGTCGCTTCGAAGAAGCTGTTACTCGGTTGTG
CGGATCGCGAGTTAAGTCCGTGCGAAGTAGTATTCCCTGCAAATCCCTTCAGAGTGC
>EP78846 (+) Dm CG9443; range -499 to 100.

GGCAATTTTCGTGAGCACTCCCCATTCAAACCCATTGAGCCAGAACTCAAACCTCAATTTG
CCGGTATCATCATTTCAAAGGTACGTGCGCTGCACGCTTTTCTCTGCGGAAGAAAACA
AAGGAACTTTGTCAATTGCAAGAACAATTAAGAAGACACCAAAAGTGCACAGAGTCGA
TTGTGTAAATACCCTAGAAAAACACTTCCTAAGTAACAAAATTTCTTTCTATCGAATTCG
TTGTAAGGAAACAAGGGCAATGCATTTATTTTAAAGTGTTTTAAAGTTAATTTAAACATA
ACTTTTAGAATGCAAAATGTGGCAATTACTTAAGTGCAGTGTTCGAGATATTTCTACAA
TCTTTATTTCCATTATTTCCCTTTAAGAGCAATTTGCCTGGATGCCCAAGACGACGCTCC
CCATTCTTTAGGCGGATCCTGGCATCCTGCCTCCACACAATATTGCGTGACTTTACGTG
GGCCCCGTAATTTGGCTTTGATCTGGCACTCATTAGTACTCGCAGTGCATCATCGTCTG
CTGGAGATGGGCTGTCCATGCAACGAAATATTTATATTTATGCAATGTCTGCCGCCCAA
>EP78847 (+) Dm CG2923; range -499 to 100.

CCGCACGAATATTGTAGACAACAAAGCTAACATTTTAAACAAAGCTAACTTACCAGTACAT
AGGCATCCAACAGCCATTCAATTTCTTTTAAACAATTCAAACCTCTTCGAGTTTTTCTC
TTACAATCAACATGTTTAAACAAAGAAATAATAAATATTCGTACATCAAAACATTACTATC
CTATACGCGTATGTACATCGTTTTTCTATAGTCGAGTTTTCAACCATGGGCGGAGTCCGCA
ATTTGATAGTCGACTACAAAAGTTAAAAATGGTATGTTGACAACAATAAATTTTCTC
GATATTATTTTAACTCAGTATATTCAAAAAATATAAATATATAAAAAATATCAAGTTTTAA
TTCTTTTTGGAATTTTGGGAACTTGAAAACACGGAATAAGTTCACAGTCTCCGACTAT
TCGATTGGCATTAAATCAGCGGTTACCCGTCATCGATGTTCTTGACGCGCGCTTTCCC
ACCTCTATACCAACGAATTTGCATAAAAACTTTTCAGCGAGCTAAAAGCGCGCACGGCG
TTACCGATTCTGGTGCAGTTCGCTAGCTTTTCCGCATTATTTGTCCTGTGAAATTTAGT
>EP11049 (+) Dm LSP 1a'; range -499 to 100.

GTAAAGGCTCTTAGCAGCAGACAAGTTTGCTTGATAAATTCGTTATGTATATGGAATTTA
AACTTTTTTAAAAACGGAATAGAGTGGTAGCCAAATGGTCAAAGTTATGACATTGCTCA
TACGCCACGTTGTACACACTTTTCTCAAAATAATGCCTGCCAATGCTTAACTTTAGTTTCG
TAATATGTATATGATTGGTAATATCTCTATATTATATACATATAAATAATTAAATTTCAA
AGCGATTGAACTTGTGCAGAAATTGCAGACAAAGAACCGAATCTAACGCTATTTTTGGA
ATGCAAACTCGGACTCGATATGTAGGGACCAACGTAGGCTGTCCAGAGATAAGCTGTTGC
GGTGCAAGTAGCAACAGATGTTCTGTCGAGCACCTGAGATACACCCGATGATCCCTGATC
CCGTGCTCAGAGATATGTTTCTCCGATTACCGCGGGAATCTGTGGCTATATAAGCAGAC
CCGTGGGCGTCGGTAAGGCAACAGTCTTTAGGCATTGGATCCATCAAGTGCATCCGATCC
GGAGCAGTTAAAGTTGAGTGTTCGAACAAAAGAAGGAGTTTCAGGATGAAGTTTGCCA
>EP11050 (-) Dm LSP 1b'; range -499 to 100.

AATGTGTGTGGGCAAGTCAATTAATGCACGTAGACTGTAGGGATTTCCATATCATATAT
GTATATACGTATCATATACATATTTCTAACTATCTACATTTTGGAGACATGTCGCCAGT
CTGATTTATCTTTCTGGCGCAGAAGAAGACCAATTCTAAAAATAAATTGGCACAACA
AAGATGCATTGAACGAAATTTGAGATAGCTGGTCACGGATTTGAATTTGGTTGACGTAAT
GCCGCGTTGATTGCACCTGCAGAGCTGGCTTTGGCAACCAGATGAATAGAAGTCTGGCT
TTGATAAGAGACAAGAGGGTAGCAAGGCGATAAGAGGTAGTCCGGCACAGATGGACAGAT
cclose: invalid file unit 14 (file name)
GGCGCGATCGCAGCACCTGAGATACACCCAGTGACCCCCAAGCTGCACCGCGATATCTCC
GAGCAGATTCGAGCTCCGGACACTGCGATCGTAGGCGGGACTCTTGGGTATAAAGCAG
CCAGGTGGACGGCAGTGAGGCAACAGTCTTTAGGCATTGGATCCACTGGGTGCATCTGAT
CCGGAGCAGTTGAGTGTCAAGTGTAGAGTTGCAGGAATCCGTCAACATGAAGATCGCCAT
>EP11051 (+) Dm LSP 1g'; range -499 to 100.

TTGATATATAAATTATGCTGTGTATAAGACCAAAATCAGTGTACATTTCCATTGGATTAC
CAACCGGATGGTTCCGGATGGTAATGCAAAATATTATCTAAGAAACGAAACACCTAGA
ATTAAACCTGAACTGATATGACTTATGCACATATCAGTGAGGTGGGCAGTTCAAAGCAAT
CACGATGCTCCAAGTTATTATCGCAGTGCAGTGAAAAATTCACAGTCACCGTCGCCAATT
GCCAATAAAGATCGGCCATTATACAACAGAACCGCGTTGAAGACGATCGACGAGGTCGTG
GGTCTTATCTTATCACCACCTGAATTGAGGCATGCCTCCAGAATGACGAGGGCATCCGAA
GATAATGTGGCCCGCTATTTTCGGCCGGGACTGGACCTATGCGACGACCTATGCTGATGA
CGGGAGTCTGCCGTGATATGGTGCAATGCAAGGCTCCAGTCGGGGGTATAAAAGACCCA
GTTTCGGTGCAGTCAAGACAACAGACTTTAGGTGTTGGTCGTTGAGCGAACCAAAGCCGG
AGCAGTTGAGGAACCAAGAATAGCAGCGAGAGGACCAAGGATGAAGTTGACCCTTGTTA
>EP11048 (+) Dm[99D/sry] mRNA D; range -499 to 100.

TTCATTGGCTTGAAGTGCTTAATTAAGATTAAACATATCCTTACAAAGATTCTAATTAGC
TACCTAAGTCAATTGTGTTCTTTACACTTATGTAATTACTTCATTAAGTTGAAGCCATTC
GCATAATTTATATAAAATACAATTAACATACCATTATAAAAAAATTATATAATTCAAT
TCAATTTTTTCAGGGAATCAATAAATTAATGCTACTCGTTTTTCATACTAAAGAAACCA
ACACCACCATAATAATCAACAACAAATTATGTATTTATGCAAATTGAATATCCGTTTGCA
ATATTGAGCAAAACACATATTTTATTATCAACTCATATATTTTCAGTTTTCACACCCGT
TCCATTCCCACCGTTCCGTTCTGGCATCAATCGGCATCGTTTCGCCAGCCCTGGTGGGCA
TTATGCCATGGTTGCATTTACGCATTTTAGTATAGCTTCCGATATTCATCATTTTGCCA
ACTCTATTAAATTTATACACAATTTAAAAGATTGTAAACAAACGCCGCACGAAACGGAA
TCGCTAAAAGGACCATCGTCGGCGCAATGGATACTTGCTTCTTCTGCGGCGCCGTCGATC
>EP70001 (+) Dm sry h-1; range -499 to 100.

TAGCAGAAATTACATGTTCCAGCTAGAAATATAATTTAAATATTTTATGGTAAGAGGACT
TTAAATATCACCATAAATAATTCTTAATGAAAGAAGATAAAATTTGTTTAATGTTACACA
TATTATAAATTAGTGGGTATTAAGTTAACATAAAAAACATAAAACAAATAACACAATCAT
TGGGCCTACTTCTTTAATATTTAGGGTTTGAATGTTCAATGCATAGGATTTTAAAAGCC
CAAAAAATTGTTATAGTTTCTATACAACATAATCGTGAATTATATCAAGTAAATACAAAC
ATGTAAATGGAATTGGTAAGTAAATGTTTCCTTGTCGGACAAGATTTCTTTTGAGTCA
AGAAATCTCTTTAAATGTTATTTAGAATGGTGAATCCAGTCGTGAATTAAATATAGCTAA
TAACCCGCTGGCGAGCATCACTCTTAGCGGGACTGCCACTCGTGCGGTCTTCTAACAC
TGTTCTCAAAATGGCGACTCGAGAATTGTAAGCGTGACAAAAACAACAAAGCCAAGGCGC
ATTTCAACAATAAATGTTTTCGATCAATTGCGGCGCGTTTAAATACAACGAAAGCGA
>EP23023 (+) Dm[awd]; range -499 to 100.

CCTGCTGGATGGATGAATCAACTGGTGGGAATGCTGATGCTAATGAGTGCCTAGTAAC
TCCTAGTTTGACGGGCATTTTATCATCAACTGTGGGCAACTCTTTGTTTTTTTTTAAATG
TTTTAATGTGTCTAGTAATTAATAATAACTATTGAGTTTTCGTTATTTTTTGCTTTAAA
TTATTCGATGAAATGCATTGAGAATACATTCTGAAATTCAAAGTACAAGGCGACATGGCA
GCCCCATTTGAGCGGTTATAAACTGAAAAAATATGAATACTTTAGCAATGCACTCAAAT
TTCCGCTTTGGAATTTAAATAACAAGTATTTTCTATCCTTTAAATCGCCCAACAAAAAC
AAAAACTCAAGAACGCGGCTGGCTGCCAGTGTGACCACTTGACGATTTCCACAAATTCA
CCTTGCCGGCATTTCTGATTCGGGATTTTTTGAACGGCGAACACATGAAGCTCCTGAT
GCTCGGCACAATTTTGGCATTCTTTTCTGTAATCTCGGCGACAATGGCGGCTAACAAGGA
GAGGACTTTCATCATGGTCAAGCCGATGGCGTCCAGCGCGGGCTCGTCGGCAAGATCAT
>EP14025 (+) Spe dev. reg. p. 25K; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NNNNNNNNGAATTCCTAATTAATAATTAATATTATGAAATTTTTATATGAAATTTGTTTAT
GTTAAATTTAACTAAATAGAATAAGAAGTAATAAATTTAATGGGAATATTACCTTTGT
TTACCATACAAATGACCTCTGAAATATAAAACATTTGATGATGATGTTTTAATGGACAAC
TTAACAAGTGTGCTTCTGTTCTTATCATTCAAATGCAAATTTAGAAATGCATTTTAAGAA
AAAAAAAAAAAAACCAACAGCAGCAAAAAATAAAATCAAATAACGAAATCAGCTATAAAAG
CCGAAATTATTAATTTGGAACAGCAGTTCTATACAAGACGTTCTAAGGTGTTGTAACA
AATATCAAAAACAGAAACCAAAAAAACAACAAAAATCTACAAAATGATGGATTGGA
>EP15021 (+) Dm BSG25D; range -499 to 100.

AAGGTTATCGATAGTGCATAGAAACGTGTTGTTGGGAATTTTTAAACAAAAGCAATTTT
TTGTACAACTTTACTTTTTATTTATTTATTTGTTGCCAAAGTTCAATTTTATTAATAAAA
CTATAGGGTTCTTTGTTTTAAATTATTGTAGTTTGAATGACGCACAATATATGTGTGTGT
GCTATGAAGCACTTCTATTTGATATACTTTTGTATAATTATAATCTATTATTGAAAAA
CAACATGTTAATCGGATGATTCAATTTATGTCAAGTTTCTACTTTAATAAGGGGTCTG
GTTGGAGCTGAAGCTTTCCAAGTAAAGTTAGCGATTTATTATATGGCATTACGTTCTCCC
TTGTTATCTATTTATTTGTAATATAAATATTCAAATCCTAAACGATAGTTGTATAACGA
TAGGAACAATGGTCCACGATAGTGCCACCTCCGATGCAAGTTTGCTTAATGCCCTCCAGA
GCGCGCCACCGTGCTCGCTATTACTGCATTATTGTTTTTATCAACTCGCTAGAAATTAC
GCTATTTCCAAAAAAACCGCAACCCGCGAGTGTTTATGTTGCGTTCCGAAGTGCATATC

>EP07020 (+) Dm[74F]; range -499 to 100.

CGCCTCTCCATCTCCGGCCAAAGGCAACGCCTGCTCGCGCTGCCGCCGAGCCAAGGC
CACGCCGAGCGACAACGCGCCCCGGTCTGCTACAATCGCTACTAAGTAGACGTCGAAGG
AATTCGTAATTTAACATAACATAAACCTTAATATACAAGAAAAATTTACATTCACGCCC
AGGAGGAGGATGAAGAAAGAACAGATCAAATCGATCTCTTCCCGAATTTGACATTTGCA
TCCCAATTTGCATATACACTGAATGAATGGAACTGAGAAGAAGACGGTCAACTTTTAGT
TGAAACAGTTGAATATATTGTACGACGAAGCTTCTTGAACTGACGAGGGAGAACACAAA
CAAGTTAATTGAATCGAGAATCGTATTACCTACCCGATTCCCCCTCACAGAACGCATAC
CATGCCAGCCAGCGAACCAACCATTTCAACTTATGTAATCATATAAATTCTATAATAACA
AAGAAACAAAACCTAGTTGTAAACAAACACGATTCTGTGTGTCATTGCGGGATATGGAA
ATTGGCTTTCAATCTGTTGCAAAATGAGATTCAAGTAGCAGTGATATATCTATGAGGGCT

>EP07033 (+) Dm[44D] gene H; range -499 to 100.

AACCTTCGGTCTCAGAGTGGAACCCAGCAGCAGAATGTAATAATTAATTCATTCATATT
TAGTTTAAATGTATAGCGTGTGGCAATCTTTTGGAACTATCTCTAGATGTGTTTGCTTTT
CTAGAAGCAAAAGCCGTATTCTCAACTGTTTGGCTCTCTTATTTCCCATAAATCCGATAT
TATACCTTATTTTCGCCGAACCTGTATACCTGCTTACACTTACCGGTAAACGGGTATACAA
ATAAATTCGGATGATATTTGTGCAAAAATCGGTATTTTCCAGCAATCAGAAGACATTC
GGGAGTGGGCTAATCGTTTACGTAAAGCTTCGCTGGGAGTACGAAAACAATGACAGTTT
CGGTTGACTCGAGCACCTGAGAATCATGGGAGCTGTTTGACAGCAATTCAAATGGC
CACTCAAAATGGCCAGATCTCGATTGGAGCCACCTTATCGACTAGTATAAAAGGCACTGT
CAGCTCTCCAGCCGAACAAAATCGATCAAAATGCGCCCGCAATCAGCTGCGTGTCTATT
ACTGGCCATCGTTGGCTTCGTGGGAGCCACCGAGTGGTGGGAGAGTGGAACTACTACCA

>EP07034 (+) Dm[44D] gene L; range -499 to 100.

GCATTCTAACTGGCGACAGTGGTCTAAAGTCGACGAATTTTAATCAAAATGTCTACCCAC
ATTAGCTTTATTATGACCTACACTCATATAGTTCCAGTTATTGAATCATTCCATACAAAT
CAGTTATCACAACTTGAACCCCATTTCTCTCATTATTTTTATTTTCTGAAAGAGCCA
AGTAGGACAATAAATTTCTCCCCCTGCGAAATCCGAAAACCCAGTCCACCGATAAGATA
TGGCTATGCAGTTGGATTCAATTTACCAGCCAATCTGTCTCATGATCTCTAGGCGTGAGCT
GGCTAAAACAACCATGAAATTGACTCCAATAAATTCACAGCCTGCGTATCATGAGAACC
CATTCGTAGTGTCTGGGATCGTAAATCTGCCAGCTCCACGGAGGTAATCAGAAATAGTT
TTCTATATGGTGGGTTTATCACCACTTATCAATGGGAGCGGTATGCTTAAATAGGGGCA
CCTTTTAAATCCCTCTGGCCATTGGCAATCGATCGATTTAGTGGGAGCCATGTTCAAGTTG
CTGGTGTCTCTGCTGCTTTTGGCTTTGGCTCTACCTTCGCTGGCGGAGGTTGGCTGGTGG

>EP46002 (+) Dm ecd-ind. P1 gene; range -499 to 100.

CATATTCCTTTTCTTTCTAATTTAATTTAATAAATCATATTGCATGTAACCTTGATAC
TTTCTTAACATGCTACAATACAAATGCGAACTGCACTTTGCAAGATGTTTGCTCCGAAAA
TAGACTAATCAGCGTGGCCAGCAACAAAAGCCAAAAGATCAAGAAGTGGCTTGCAGAAT
TGTAGATCAATGAACCAATTAAGATAGATTGACTGGCTTGTGACCCACAAAATAGAAACG
AACCAGGATTACGTACCCTATTTGGTCAGAATCCCGAAAGGCCCCACCGCTTTCCGGAAC
AATCCATGACAACAATTTATTTAATTTTAAATTCATAATGAGTGAGCGGTTTTTTTAGGA
GCTTCTGGGCTGATAAACATATTTTCGCACCAGCAAAATTCATTCAACCAATCGGGAGT
CAAGCGATAGGCTATAGGATGCACTTTGGGTCGATAGGAATTTCCGGGTATAAAAGCTGC
AGCGAGCGGACTGAAAAATGCAGTTGCCTGCTGGTCTGTGTTGCAGCAAGTTAAATCCAT
CTGAGCTCTCCAATCCTTCAGTTTCTCAATTGATCAGTTAACATCAATAGTTGTTACAAT

>EP11052 (+) Dm Eip28/29; range -499 to 100.

TTTCTTTGTTTTTTCTTGATGTTGAACTAATATCTAATATCATTACGCAGGTTAATGACC
AACAAATCCCACTTCAAAAGCCGGCGTTCCCGGCTTCTATGTCACCGAGAATCCCAAGG
AGATAAAAATACAAATGTTCTGTTGGACTTCATTTTTCGTTTGAGCCGGCTAAAATACG
AGCCCCGCAAAATACAGTTAGTCCACAATCCGAGAACACAAAAGACTGCACTTGACTTG
TTCAAATTAGAAATATTAAGGCAATTAATAATTAATAACCTGATCAAATGTCCAGCTGTAC
GATCAATTGTGGCCCCAAGAAACCTGTAGCGCTGCGCAGTTTTAATCAGCGTAGAATCGG
GAGAGGGAGAAAAGAGACGGGGCCGGCCGAGAACTGAAGAGCGGGAGAAATTGATAAC
GATAGCGCGGCACTCTCCACATTCGCGTAGAAAGCGGGAGAGGCGGCAGTATAAATTGGA
CCGACCTTTCTGCAGATGCATCAGTTTCACTTTAAATGTTAAAAGCGACACATTAAATAA
ATAACAATTTTAACTAGTGAATCATGTCTCTGACTATTACTTCCAGTGTCATCATCCT

>EP35002 (+) Cte I-18C; range -499 to 100.

TTCACCATTAATCTTCATAATTAATGCATTAATAATCACGATTAATCATGCATTTTCGAA
ATCATAACTTACAGGTAGATATATTTAAATTTTATTACTACATACCTTAAATGCTTTT
CTAGTATTGCTGTCAAACCATGTTCACTGACTTTTCCGTTACTACAAAAATTCAAACGAG
ATTGCTAGAACAAAATAACATGAAGTTGGCTGCGATTTATTTTGGAAATTCAGAATTTT
AAAGAAATCAATATTTACGTTCTAATACTGCTTCTAAGGAACTGCCGAAGTATTGGTGC
CATTAATTTGGTAAGTTTATTGTTATTTCTGATTTCCGTACAAGTTATCCCTGAATA
TACCTAAAATTTAATTTAAAACTTACAGAATGAGAGTCGAAAGATTAATACTTTTCGA
CGATTCTGTTTGTGCAATAGGTAGTTTTTCCATGGGTACAAATATTTTATACCTTCCGTA
CTTCGAATAGAAATTTTCACTTCGTCCAGAACTTCCAACAGACAAGTCGAAAAATAC

AGTTGTCTTCGTGAAAAAATCATTAATTAAGCTTAAACGTTTAAAAATTGTTGTGTTAAAG
>EP15022 (+) Dm[yellow]; range -499 to 100.

TATTAAGCTTTTCAGATTTTTCAGAAATTTGGAGAGCAATGCATTCTATGCACGAGCCTCCT
GGCCTTACAATTTACTTGTGTTGAAATTAGATCGTCAAATAAAGTCCCTAAAAATTAAATAA
ATAGTAGTCACAACCTTTAAAAAGGTCTTAATCTTTTAGGGTACCGAAAGGTATTTTCGGC
ACAAATCAGCGCAGTTTTTAAATGTGATGAAGGCCAAAAATCATACCAAACCCAGCGAAA
GGTGATGTCTGACTCATTAATTTGGGGGATTTCGAGTGTATTTATTAACATGCGTGAAAA
TCAATCATGGAAGACAAAACGCAAAGTTGGCCGATCTATGGGAACAGCATAAGCCACCTG
ATTACCCGAACACTGAACCACCCGAATCACTAAAACCACCGAAGTTGGCGCGCGCCTTCG
TTTTCATTTTCATTGGCCTGTCTTCGTCTTCGGAGAAAAAACTTCATATAAACGCGG
CCGACATATTATGGCCACCAGTCGTTACCGCGCCACGGTCCACAGAAGAGGATTAAAAAA
ATATCACACAGCCGAAGGCTAGAGAAGAACCCCTATAGCTGAACATATATAAACAAATA
>EP23036 (+) Dm[white]; range -499 to 100.

CAGGCGGATTAACAAGAATCTCTTATTCACGATAAGAAGACGCTTCCCACTCAACCTAA
TCAGTATTCAAAGACAGCCACTCAGCTTATGAGTACTGCCAGGTGGGGTACTATCATAT
TGGTGCAAAGGTGGTCGAATTTTTAATTATTTTGAACGGAACACATTAGCTAAACATAAA
CATGTTGTCACTAGTATGATGAAGTTAATAAAACCCCTTTTTTGGAGAATGTAGATTTA
AAAAAACATATTTTTTTTTTATTTTTTACTGCACTGGACATCATTGAACCTTATCTGATCA
GTTTTAAATTTACTTCGATCCAAGGGTATTTGAAGTACCAGGTTCTTTTCGATTACCTCTC
ACTCAAAATGACATTCCTCAAAAGTCAGCGCTGTTTGCCTCCTTCTGTCCACAGAAA
TATCGCCGTCTCTTTCGCCGTGCGTCCGCTATCTCTTTCGCCACCGTTTGTAGCGTTAC
CTAGCGTCAATGTCCGCTTCAGTTGCACTTTGTGAGCGGTTTCGTGACGAAGCTCCAAG
CGGTTTACGCCATCAATTAACACAAAGTGTGTGCCAAAACCTCTCTCGCTTCTTATTT
>EP11053 (+) Dm[copia] VLP_A; range -499 to 100.

CAGAGAGCAAGTTCAGAATAATGTGATTTGTCTTGAGTATATTCCTACAGAGAATCAACT
GGCTGACATATTTACAAAACCGTTGCGTGTGCGAGATTTGTGGAGTTACGAGACAAATT
GGGTTTGTGCAAGACGACCAATCGAATGTGAATGAAATTTTTATATATATTTTTTCAA
TTTAAATTCCTGTAACATATTTTGTACAAATGATCTGATCGGGTTTTTCTGGGTTTTCC
CCGTATCCTCGCAGCAAAATGTGGATCAGTTAACACTTCCCAGAATGCACACCACCCACA
TTTGATAGTTACTAATGAATATTATTGTTATGTTTTAATTATAGACGTTATTTTTGAGG
GGGCGTGTGGAATATACTATTCAACCTACAAAAATAACGTTAAACAACACTACTTTATA
TTTGATATGAATGGCCACACCTTTTATGCCATAAAACATATTGTAAGAGAATACCACTCT
TTTTATTCTTCTTCTTCTTGTACGTTTTTGTGTGAGTAGGTCGTGGTGTGGTGT
TGCAAGTTGAAATACTTAAATATAAATCATAAAACTCAAAACATAAACTTGACTATTTAT
>EP66004 (+) Dm[copia] VLP_B; range -499 to 100.

AAAACGAGTCGCTTAGGTACTCTATTATTGTACTTTTTGCACAACGCTCTGCCTTTTTCC
AGGAGTCATCTACCTCGTTAGGCATTAACCATCACTACTTTAAGCACATCTTGCTCGG
CTAAAAGAGCCCTAATTCTAAATTTCCAAATCGCGTACTTCTCGCCATCAAACGGCTTAA
TATTACGTTTAGCCTTGCCATTTTTCACTCAAATTCGAGAAGGAAATAATTTACAAG
AATGTGAAAAAAGCTATTTACAAGAATGTGAAAAATGCTATTTACAATTTATT
TTCACAATCTTTAATTCACAATTTAATTGTTTATTAGGCATGGACTGGGCCCATACCTG
TTGTAATTTATAATTTATATTTTCTTTCTTAATAAATAAATAAATAGTCAAGTTTATGTT
TGAGTTTTATGATTTATATTTTAAAGTTATTTCAACTGCAACACCAGCACCCACGACCTACT
CACAGCAAAAAACGTACAAGAAGGAAGGAATAAAAAGAGTGTTTCTCTTACAAT
ATGTTTTATGGCATAAAAGGTGTGGCCATTCATATCAAATATAAAGTAGTGTGTTTAAAC
>EP17018 (+) Dm rTn 412; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTCAAAGGAGGGAGATGTAGTATGTGCCTATGCAATATTA
AGAACAATTAATAAATAAGCATATTAACCTTATGGCAGCACTTTGTTGCTATGTTTATGT
TTATGTTTATGCACGCAGTTAGGCCAGGGCGGATGTAACATGATCACCCACTCGAAGGCA
AAAAGTATAAGTGCATGGTCAGCATTACACGCGCGACCAATACATATTACATACGTACA
TACATATCTCGCTCTCCCGATAAGCCTAGATATATAAGATATACATAAGAACGCCGCTCC
GCTGCTGGCGTACCCGGCAGCGCAGCTACGCGGATTAGCCTAAGTCCAAATATATTA
ACTGTAAAATCGGAGAGACTCTGTAGACGTTGAGCGGACAGAACCATTCTGCTACTCT
AAAATCAAAGAAGAAATTGAATAAATATATGTGAGCCCGACGGCTGCCTTCAACTTAAA
>EP16025 (+) AcNPV IE-I; range -499 to 100.

GAACGGATACGTTGCCCGACATTATCATTAATCCTTGGCGTAGAATTTGTGCGGTCAT
TGTCCTGTGTCGCTAGCATGCCCCTAACGGACCTCGTACTTTTGGCTTCAAAGGTTTTGC
GCACAGACAAAAATGTGCCACACTTGAGCTCTGCATGTGTGCGGTTACCACAAATCCCA
ACGGCGCAGTGTACTTGTGTATGCAAATAAATCTCGATAAAGGCGCGGCGCGGAATGC
AGCTGATCACGTACGCTCCTCGTGTCCGTTCAAGGACGGTGTATCGACCTCAGATTAA
TGTTTATCGGCCGACTGTTTTCGTATCCGCTACCAAACGCGTTTTTGCATTAACTTGT
ATGTCGGCGGATGTTCTATATCTAATTTGAATAAATAAACGATAACCGCGTTGGTTTTAG
AGGGCATAATAAAGAAATATTGTTATCGTGTTCGCCATTAGGGCAGTATAAATTGACGT

TCATGTTGGATATTGTTTCAGTTGCAAGTTGACACTGGCGGCGACAAGATCGTGAACAAC
CAAGTGAATGACTATGACGCAAATTAATTTTAAACGCGTCGTACACCAGCGCTTCGACGCCGTCC
>EP16026 (+) AcNPV[+.87] a' 35K; range -499 to 100.

GAAATTTGGCCGTCGGTCACCATGTACAAAAGTTTCAACTTGCCGTCGAGCAAGTTTATA
TTCTTGTGAATCCACTTTATGAATTCGCTGGGCTGGTGTGAGTACCCTCGCCATTGCGG
CGCAAATAACGACTCTTGACGTCTCCGATTTCTTTTGGCGGCAATAAGCACTCCAATGC
AAATACAAAACCTTTGTCGCAACTACTGATGTTTTGATTTTCTGAAATTGTTCTAAA
GTTTGTAAACGCGTTCTTGTTAAAGTAATAGTCCGAGTTTGTGACAAGGAATCGTCGGTG
GCGTACACGTAGTAGTTAATCATCTTGTGATTGATATTTAATTTTGGCGACGGATTTT
ATATACACGAGCGGAGCGGTACGTTCTGTAAATGAGTGATCGTGTGTGTATCTCT
GGCAGCGCGATAGTGGTCGCGAAAATTACACGCGCGTCTGAACGTGAACGTTTATATTAT
AAATATTCAACGTTGCTTGTATTAAGTGAGCATTTGAGCTTTACCATTGCAAAATGTGTG
TAATTTTCCGGTAGAAATCGACGTGTCCAGACGATTATTCGAGATTGTGAGGTGGACA
>EP16027 (+) AcNPV[-.87] a' 94K; range -499 to 100.

CCGAATAGTGTTTCATCTTTAAATACTTGATGCTATCGTGAATCCATCCATTTGATCGC
TGTAATCGCGTTCTAGTTGATCAAATTGTTATCGACTTTTGATTTTATTCTGTCGCGCA
AATTGTTGTTCTTGGCGTAACGCTTCGTATAGGACCCGAAATGTTAAACATCATGAGAA
CGGGTTTTGTCAATTGCGTGTTCATAATCTTGTTAATGTACACCAACTCTCTGGTTTGTT
TGTCACCTGACAATCTCGAATAATCGTCTGGGACACGTGATTTCTACCGGAAAAATTA
CACACATTTTGAATGGTAAAGCTCAAATGCTCACTTAATACAAGCAACGTTGAATATTT
ATAATATAAACGTTACGTTACGACGCGGTGTAATTTTGGCGACCACTATCGCGCTGCC
AGAGATAACACACACGATCACTCATGTTACAGAACGTGACCGCTCCGCTCGTGATAT
AAAAATCCGTCGCCAAAATTAATATCAATCAACAAGATGATTAATACTACTACGTGTACGC
CACCGACGATTCCTTGTGACAAAACCTGGACTATTACTTTAACAAGAACGCGTTACAAAC
>EP15023 (+) AcNPV b' 39K; range -499 to 100.

AACTTGATTAACGTGAACGCCAAACCCAAACGTAACCGTGAAGTTGTTGCCGGGCACG
TTTGGCAATGACTACCGTATAATGTTAAAAACCGCGACGCTTCAATTGCGAAATAGCGCGC
AGCCTGGCCATCGTGCCGCTCAACAAATACTTTAATTATATGAACGACAAACAACGATC
ACGTACGATTACAGCAATTACATTGAATTTTTTGATTTTGTGCGCAGCGTCAAGGCGCGT
TTTGATAATAGGCAATTGCAGGACTTTTTCTACGCCACTCTGAAAAAGATAGACAACGAT
GCCCCCAAAAATTGCACGCACTTAGGCGGGTGTGATTCGGACTGCTTGACTCGCAGCGA
AATACAAGCGCTGTTCAAGGAAGCCATCAACACGCTCAAGCACACGATGAACACAGAAAA
CGTCTGCGCGCACATGTTGGACATCGTGTCTGTTGAGCGTATAAAAGAATATATAAGAGC
TAATTTAGGCCATTTACAGTAATCACCGACAAATGTTGAAAGCGTAAGGTGTGTCTTCA
TCACAAACGAATTGCCAGGTTGTTGGGCATTAAAAAATATATCATCAAGAATACAAACG
>EP30034 (+) AcNPV[PstI-G] b' R1; range -499 to 100.

AGCCGGGATACCCATGGTGTGCTGCCCCATGATGGGCGACCAAGTTTACCATGCGCACAA
ATTACAGCAACTCGGCGTAGCCGCGCCTTGACACTGTTACCGTTTCCAGCGATCAACT
ACTAGTGGCGATAAACGACGTGTTGTTTAAACGCGCTACCTACAAAAAACACATGGCCGA
GTTATATGCGCTCATCAATCATGATAAAGCAACGTTTCCGCTCTAGATAAAGCCATCAA
ATTCACAGAACGCGTAATTGATATAGACATGACATCAGTCGTCAATTGTATTCAATAAA
AACACAGCTGCCAATGTACCGTATTCAAATTACTACATGTATAAATCTGTGTTTTCTAT
TGTAATGAATCACTTAACACACTTTTAATTACGTCAATAAATGTTATTACCATTATTTA
CCTGGTTTTTTGAGAGGGGCTTTGTGCGACTGCGCACTTCCAGCCTTTATAAACGCTCA
CCAACCAAAGCAGGTCAATTATTGTGCCAGGACGTTCAAAGGCGAAACATCGAAATGGAGT
CTGTTCAAACGCGCTTATGTGCCAGTAGCAATCAATTGCTCCGTTCAAAAAGCGCCAGC
>EP16028 (+) Ac neuropep. R3-14; range -499 to 100.

NN
NN
CCCAACCAAGAAATAAGAAAAAGAAAGCGAATGCCCTTCACTTCTCCCCCCCCCTCTC
TCTCTCTCTTCT
TTTCT
CT
TCT
TACATAATAATTGTATTATTATTGAGAGGATCAAAGAGACCGCTATAAAAGTCCGAGTCT
TTCTCAGACATGACCATTCGACTGGCGTTTGGCGTCCAAGGCGCTCACTCACTCACTAAC
AAACACACGCACTATCTCTCACTAACAGACTCACTACCCCAAGCAGTGACTTTCAATTC
>EP16029 (+) Ac neuropep. L11; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NN
CAATCGGAGCTTCGGGATTTGATAGCGAGGGTGCTTCGGCTCAGGAACCAATCACCGC

CCGCACACAAAGTTTGAGTTAGCAGGCTGTGCCGACTTGAATCCATTCCCTATAAATAG
GGAGGGGTGAATGCAGCAGGAAAAAGTCTCAAAATTTGGTAGAGCGGAAAGGAACCATCAT
TGAAAAAGAACTACAACCTTTGAAATTTTTGCCATACTCGCAAAGTAGAAGTTCATATCA
>EP16030 (+) Ac ELH; range -499 to 100.

TTCATTCCCTTGAAACAAATCCTATCAAACCGATAATCCCTCCAGCTGCCGTATAAAAAAC
CAATTCGCCCCACCCCTTCCCCAAAACCTACCCGAAACAACTGTATCAAATGACCTT
CCTCTACAGTGTTACGCAATGCACTCCCCCCCCCTCACTCTAACCGCTTTTCTCCCG
CCCCCTCCACATCCCCCAACACACACACTTTTTCCATCCATCCCCTCTCCACACC
CTTCCCCCTCCCCCAAGTGCTCACTCACCTTTAGAAATGTAAGAGCCCGCGTTTGT
GCCAGCAGGCCAGGCCAGGGTGACAGCGGACAGAGAGACAGAGAGAAAGAGAGAGAGAG
GACACACACACACCACCACCACCACCTACCAGCCCTCGTGAGGACAACGCATAAACCA
TCACACGTGCCATAATTAACGGCTCCACGCCCTCTTGCTCGTGTATAAAACCAGGGAAA
TCAGCCCCAGTCTCGGCATAAGTCTCGGGGAATCTTACCAGACAACGTCCAGCGGTCCA
ATCGAGAAGTAAGTAGTCCGAGCTGCGAGCATAACTCTACCAGAGAAACGCGCACTTTAT
>EP17019 (-) Lv snRNA U1.2; range -499 to 100.

TTTTAACTTTATCGAGATATTAAGCCTCACATTTTATTCTAAAATGAGACGAAAGCTTTC
GGGTCTACTACCACTAGAGCCCATGGAACGAGATATTAAAGAGAGCAAAGTATAATTTT
GCCCAAGTAAGACGACGACCGATAAAAGAAAGGTTGACCCGATAACAGGATGCGAGTAAG
CTGACGCTTATGTCATTATAATCTGCAACGTCAGTAAAGTTATTGTGAAGTTCATGAATA
TTCACATCCTTACTTCTTACATCTTACGTGCAATTTTGTACTTGTTATTACGTTTAAAT
TATAGAATTACATGGATACGTCATTAATGTTGCTCCAGAGAGGGGCACAGAGATTGAGG
TTTCTTTCTCTCAAACTTGCCAAAATTGTACAAATTCATAAAATCATGTGACTGTTTTT
TCTTTGTAGTGTGAGATGTTTCACTGCTTTCTATCGCAGATAAGATTTGATCAAGTACGG
CGACCGATGGATGGGGAGCATACTTACCTGGCGCAGGGGTGCGATTGATCAAGAAGGATG
CACCCCCAGGGCGAGGCTTGCCATTGCACTCCGGCTTGCTGAACCTTGCGATTCCCCAA
>EP17020 (+) Lv snRNA U1.1; range -499 to 100.

TCGCCTGATATGAAATAAACAAATCATTTTAACTTCATAGAGATATCAAGCGTCACACATT
TCATTCTAAAATGGGACGAAAGCTTACCAACTAGAGCCAATGGAACGAGATATTAAAGAG
AGGAATGTATGACGACGACCAATAAAAGAAAGGTTGACCCGAAAACAGGATGCGAGTAAG
CTGACGCTTTTGTCAATTATAATCTTTAACGTCCGTAAAGTTATTGCGAAGTTCATGAATA
TTCAAATCCTTACTTCTTACATCTTCCGTGCAATTTTGTACTTGTTATTACGTTTAAAT
TATAGAATTACATGGATACGTCATTAATGTTGCTCCAGAGAGCGGCACAGAGATTGAGG
TTTCTTTCTCTCAAAATTTGCCAAAATTGTACAAATTCATAAAATCATGTGACTGTTTTT
TCTTTGTAGTGTGAGATGTTTCACTACTTTTATATCGCAGATAAGATTTGATCAAGTACGG
CGGCCGATGTATGGGGAGCATACTTACCTGGCGCAGGGGTGCGATTGATCAAGAAGGATG
CACCCCCAGGGCGAGGCTTGCCATTGCACTCCGGCTTGCTGAACCTTGCGATTCCCCAA
>EP30010 (+) Sp snRNA U2 early; range -499 to 100.

TGACCATTCTGATAATTTTTTTTCTTCAATTTGTTCTTGCTACATAACGTTTCAGTATA
ACGTCGTATTAATACTACGTAACCTATGATGTATGTATCCTGTGCAATAAAGAGTATCT
AATCAAAGATTGCGCCGAGATGATACATGACAAAGTATTCAGTGTGTTTATCCGGTCGTG
ACGTTCTAACGCGGATTCTTGAATATGGTAAAAAGGAGTGGTGTGTCATGGTCGCTTGAA
GGGTGATTGCAAGCAACCGTTTTCTCCTTTAATGATCAATATCTTTCTTTTACCTATAA
ATCTGTGATTTATTTATCCCTTTTCTGTTTGAACACACAGTAACATTTCTGCAGTGTGGCA
TTCGTTTTTCTAAGCTTTTACCGTTTAAAGATATCGTACAAAATTGACTACGTAAAGT
CTGTAAAAGCAACATTTTGATCACCGAATCGCCTGGTCCGTAGGATTTGGATATTCTTCT
TTAGCTTCGGTATGCAATTATCGCTTCTCGGCCTTTTGGCTAAGATCATGTGTAGTATCT
GTTCTTTTACGCTTAATATCTGAAACGCGACTCACCGAGTCGCTTGATATTAACCTGAT
>EP30011 (-) Lv snRNA U2 early; range -499 to 100.

TTCAGTAGAGCGGGGCACTTTTCGCGAGTCAAATAGTCCTTAAAGTTAAGCGACATTT
CTTAGCAATTTGGACGAAGGAGGTTCTGTGATTGTCCTTTCTGGAATCACTCTTGGACGG
TGAATCGAATGCATACCCTCTGGTCAATCAGCTGTATCAAATTAAAAAATCTTTGGAATG
AATGAATGAAATTGTCAATTTACCCCGTATCTACCCTGCTCCTGGTTGACAATGTACGTCG
TCCAGAGAGGGGCTTGGCAATGAGATACTTTTAACTATTGATGTTGATATCATTTCTA
TAAAGAACGGTTGGTCATTGTTTTTGGCCAGGTTTGTAGAGACAATTGCTCGCCGGAAT
GTGTTAATATCTTCGTCCGATAACTATCGTCCTTTTAAAGATAATGAGGTTGTTATAAG
GTTAAACTCTTTGAAATGCCTCACTGTTTTTCTTTATTTAAATTTAAAGTATACATGTTT
CAGAAAACAGCAATTCGGTATCGCTTCTCGGCCTTTTGGCTAAGATCATGTGTAGTATCT
GTTCTTTTACGCTTAATATCTGAAACGCGACTCACCGAGTCGCTTGATATTAACCTGAT
>EP30012 (+) Lv snRNA U2 late; range -499 to 100.

ACTATGAGTTCACGGCATGTAGATAATGTGTAGCATTTTCATTATCTTGTTAGATTATAC
AATTTCAATCCTAATCTCATTTGGTCATTCTATATAAGATTATATATCATAGTAAGATTG
TGTTGGATGATAATGATAACATGATGAAATATTCAAATTTATTGAATTACGTATCATTAT
AGCGGCTGATGTCAAAGACTAATCTCCATATACATGCTTGATAGCAAATGCATTTTGA
ATCGCATATGAAGACGTTATAATTATTCAGAAATTTATCCAAAGTTTTTAAACGACAGG
CAGATTATTAGTTTCCTTAGGTTCCCAATGTTTTTCAAATGATTTCGTGTTAACATTTACTT

NN
NNCTATACTATCATATA
TCTAAATTTTCGGGAAAAACGTTTTTAATAATAAGATTGGCGTTTATTTTCGGATTTTAA
AGTCAATTGTCAAAGTAGTGTTCGTGGTAAATTTCTCATATGATGAATAAATTATGTAT
GACTTTTAAAGGTGCCAAGTGGAACATTGAAAGCTCCTCTTGATTGAGGGTATTTTCACC

AGTTTTGATTTAGCCAACAAAAGAGAAAAACAATATTTTCCAACACCTTACTAACACATT
TAAAAACACGATTGCCAAAATACACACTACGTGCACAAAACAAGCGGGCTGTACACGTCC
TACGGGCGACCTCACCGTACCGTTTTCCCCCACGTCCGCAAGAACGTTATATATGCCCGA
GAAGCCGCGGAAATCAAACATTACGATTTTTGTTGAAGTCTGTAATAGACCAACCAATCT
ACATCATGTCTGCCGCTAAGCCTAAGGTGCGCAAGAAGGCCCGTGTGACCAGCACACC
>EP07040 (+) Pm histone H2A early; range -499 to 100.
CAGTCATTACGACCACGATAAGTACATCCGTACGACGATCGGATAGACTGCTACGTGCT
CAGCTGGTCTGCGCGNN
NN
NN
NNNNNNNGCACAAATAACGCTTCTCACTCTTTCTTTTAAATTTATCTTTATCTCTTTTTT
TTTTTTCCGAGGCAGAAAAGCAGTGAGCAAAGGCCCTAACTCTCGGCTGCTCTAACGAGC
CACCAACAGATGGCGGTATTCATGAAATCGAGGTGCGGGCAGCGTCCCGCTGATTGGACA
ATTGTCACAAATGCCCTCGTGACCGGTCTCTCCGATCCCGACGTTTGGTATAAATAGCCA
GCAAAAAAGATAGGTGGTCAACCATTCAGCCAGCGCACATCGTTCTGTGCACAACCTCG
CTTCGCTCTCAGCTCGTTAACCAACCAACCATCATGTCTGGAAGAGGTAAAAGTGGAAG
>EP33006 (-) Pl histone H2A early; range -499 to 100.
AACTTAGATCCTTATGGAACGCGGCTTTCAGTCAAAACACTTCTCCGAAGAAATTTGATT
TGATTTGTGCAACTTTCATGACAATGAACAACGTGCAATGATTTCTTTGGACGATGAGAA
ATAAAGTCAGAGAGCTGGGCAGAGCGAAGGGAATAGCCAACTTAGCCTGTGTAGTTTGAA
GAAAATTAAGAAACTGCGTAGCAACCGTCAGTAAACATTACAGGTGTAAAAAAGGAG
AGTGTAAATCGTGTGGTGTAGAAATGTATATCATGCTCATGAGATCAACAGAGCGAGGGAG
GGAGGGAGAGAGAGAGAGAGAGATAAGAAAGGGAAGATGTGCACACCGTGTGCTGCTG
TAGACAATCGCCACAGAGGGAGCTATCCCTAATCGTGGGGGCCCGCTGATTGGACA
ATTGGCACAATGCTGCGTCCACCGGTCACTTCGATCCCGACGTTTGGTATATAAAGCGG
AGCAAAAAATGGTCAAACCATTCAGCCAAGAACCATCGTTCTGTCCATTACTTCGCTTC
GCTCTCAAACAATCATCATGTCTGGAAGAGGTAAAAGTGGAAGGCTCGTACCAAGGCAA
>EP11058 (-) Sd histone H2A early; range -499 to 100.
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNGAAAGCAAGGAGATCTGAACATAGACCTAGATG
ACTNN
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTTTAAATTCAATTAAGAAACCTATACGATC
TGATTGAGTACTAGTTGTGATATCAGTGGAGAAAACGGATAAGTCCGCCGAGATGGCAC
CATTCAGTGTGATGCGAGACAAGTTTAAAGGAGATCCGGTCAGCTACCCGCTGATTGGAC
AATAGTCACAATGCCCCCGACGGTCACTGCGATCCTAACCCAGGTATAAATGGCCACC
AAAACGCTGCTGGGCATCCATTCAAGTCATCGAACACTGTTACGNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP25031 (+) Sp hist. H2A late L3; range -499 to 100.
TCGATCCCTTCTTTCCAGCGGCTTGTGCTTTGGCAGGCATGATGAGTTACTCTACGTGAT
AAACGATGAGAAATGAAGTCCAAAGCAATCCACTTCTATTTATACAGCGAGCGAGGATTT
AACGGTTATACGCTTATGAAATGAGTCCGACTGCACGCGAGAAACACCAATCACTGCAA
GCCATTACAGCGCGGTTTCGCTCCGTGTACGAGAGAACGACGGCCCCCTGAATTAATTCATT
ATTCATGAGGTCCGAATGTACGTTTGTAGCCACCAATCACACAGAGCGCTCTACGTAAATA
CGCAGGGCCCCGCTGTTCCGGCGACACATTTGCATACACCCGTGCAAAAGCATGCGTACA
CTCGCACGTATATGCAATAATAGTGTGTTGCTTGCCTTACTCATCGGCCCGCATCT
GATTGGCTCCCATTTGGATCCTCGCTGTGCGTTCGATCCTCCACAGACGTATAAATACCT
AGCTCGACCAATTTGGAAGCATACAGCGATTCTCATCTTACTTGCCAAAGCGTAACCAA
ATCTATCAAATCATCATGTCTGGACGTGGTAAAGGAGCAGGAAAGGCCCGTGTAAAGGCC
>EP11059 (-) Pm histone H2B early; range -499 to 100.
CATCGTACCCGTACAATTACTTTGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTCGANNNNAACTGTGAATTTGTGTCTGTTTTCGGTAT
TTAATTGGATATTGCATTAGAGGTGAAATTCATGCATTTTTTCNNNNNNNNNNNNNNNN
NNNTTAGCATACCCATCTGACA
CTACATTATGCCTGTCAAAGCAATGGCAACGCTTATTTTGACATGGCCTGTAAAGATATT
AATAATAAAATAAATGATAATAAATGTTTATGTAATACATATGCTAAAATCGACCG
TAACAGACCTCATATCATTANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTCGAATCC
CCCTGAATGGCTAACATTTGCATACGCATCCGAGCGGACCGACCCCGCTGTATAAAGAG
AAAGGGAACCCAGGGGGCGGCACTCACAGTACCAAAGCATTGCTCGGACANNNNNNNNN
NN
>EP11060 (+) Pm histone H2B early; range -499 to 100.
NN
NN
NN
NN

https://epd.expasy.org/cgi-bin/epd/seq_download.pl

[illegible]

AGCGATAAAATTGTTTCTCCCTTTGAGTTAATGCTTTTTGTGCATGCCTAATTATACCTC
GGTGATGCTCGGTACACCGCTAAACGATTCTATACCCCTCCAAACTGAGCCATTTAA
GCTTAATCCTATTTTGGTCCCGTACTGGCCAACAGTATGTAGACGCCTAAGTTTATTATT
GCATTGTCATTCATTGTCGCGACATACTTGTAGTTAGCTTTTTATTCTCTTACTTTCT
TTGGGTATTAGCTGCGAAGCTTATCTATTGGCCTCGTTGTGCATTTGTTTTAAAAAGA
ATAAATGAAGCGCAAACAACTTTATTAAGCAAAAAAGCACCGAATCTCATTGTCATATC
CTTTTCAATGCATTCTTATCTGCCCTGAGGCGCTACGATGTGTCTAAATTGTCCTTA
TTTGGTCAAAACCCCTGGACATAACTCTCGCTTGGGGTCTTTGTCCAAGGAAGGGGTAGT
ACATTACTTGGTCCCCACAGATCATTTCACTCTGCACCAAGCAATCAAGCAGGTGGTG
TCATCCAGTTCCTTTCTCTCTCTCTCTAACTCGGTNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP25026 (+)Sp vitellogenin; range -499 to 100.

CTGCACCTCTCATATTAAGTCTACTGAGAATCATGGTTCAGAATCCTTCGGTACATCGTT
TCCAAAAACAACCTGAAAAATATCAACAAAAATAAACAAGAGAGAAAAATAACCTTT
GACAAAAACATAATCACGAACCATCGTTCAAAAAACATCAATCTTTCGTCCACAGTACC
AAACTTATCCACCACCAGCACCCATTCTCTTTATCGAAACTCCTCACTGACCGGTCAATT
GATCCTTGACTCCACCCCGCCTACCAAGATCCAACCAATCAGAACGGGGCAGGTGCTGGA
AACGTGACGATCGAACTTTGAGCAAATCGCAGCACCTGGATGGGATGGAGCCCTGGCGGT
TCCTTGCCGTGCGCAATATGTTGTGAAAAATGAAGATAATCAAAAGCCTATATAAACCCCA
CATCTTTGATTAAATGTTTCATCTTGCCTTCAGACAGGCTTTGGCAGTGTCTGATTTGAG
CATTTTTCGAGGACTTTGTTGCCGATTTTCATCAACTCAGCTCGGAGAAGTTGTCATCAT
>EP33015 (+) *Sp* arylsulfatase; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCTCTCTCTCCTCCTCTTTTCTTCTTCTTTCATACGCATT
TTTTTCCCCTCCTTTTTCTTTTTCCCCTCCTTTTTTCTACTTTTCTCCCTTTTTCTTTT
CCCCCTTCCCCTTTCCCCTCCTTTTTCTTTTTTTTACGAGACGTGCCCCCTGTGTCC
CCCTGAATCCGCCACTGACTATGTCGACGTGCAAAATCTAAAAGTCCCTAATGAAGTATTT
TGATGACTGATCGCTGGCATCACCATCTAACCCCGCCCCCTCCCCGGGCTTTTGATTC
GGGATCGAGCTCACCATGCGAAAGAAAGTCTCTTCTGGTGGCCAATTATATAAACTCT
CCTCGTAAGCAGTTAAGTCACATCGCTGTCTCCTTCTGCATGAAGAAGACNNNNNNNNNN
NN
>EP33013 (-) *Sp* MTA; range -499 to 100.

CCTTGTTCTTCTTTTTCGTTTCTTAATCATGGTATTAATCATTTGCAATCAATTAC
ATGCCTTTATATATATAATAATCATGGTGCTACATGATTTTGAAATACTTTATGGAAA
CCTTACGTTTTACCAGACCTTGACACAAAGTTGACAGTGTTACCTTTATCATTCACTTCC
GTACTGTTTCAGCACATGAGCAACACTTTGTTCTTTGAGGGCAAACGTTTGGGGGAGGG
GAGGGCATCCCACGGCGCTTTAAAAACAAGGATTTTGCTTCCCTTCCATATCCCGT
ATAATTTATCCGACACGAGCCTAGTCATCACCATTCTGATAGAAGCGTGTGCAAACTA
GAAAGGCCACCTAGATCGAGCTCCTCAGGCACCGCTAACAGGTTGCCTAGCTCGTGCCT
AAACGTGGTGTGTTTACCTATTTGTTTGACACGGATATTGTAATGAAACATATAAAAC
CCCGAATTTACCAGTTTTTGTCACAAGCTGAAGCGTTTGAGTGTGATTTACATTACCTT
CTGAAGAAACATACAACTCGAGTTCAATTTATCACCATGCCTGATGTCAAGTGTGTCTG
>EP33014 (+) *Sp* MTB 1; range -499 to 100.

TCTCCTGCTTCTTCTTTTTTCAATTTCTTAATCATAGTAATAATTATTTGCAATCAAT
TACATGCCTATATAAATTATATAAATCATGGTGCTACATGATTTTGAAATACTTTATG
GAAACCTTACGTTTTACCAGACCTTGACACAATGTTGACAGTGTTACCTTTATCATTAC
TTTCATAATGTTTTAGCACATGAGCAACACTTTGTTCTTTGAGGGCAAACGTTTGGGGGA
GGGGAGGGCATNCCCCGACGCTTTTTTAAAAACCGATTTTGCTTCCCTTCCATATCCC
TTATTTATCCGACACGATCAGCCTGTCATCACCATTCTGGATAGAAGCGTGTGCAAAAC
TAGAAACGCCTACCTAAATCGCCTCTGCACACCGCAACAGGTTGTCTAGCTCGTGCCT
ATACGTGGTGTGTTTACCTATTTGTTTGACACGGATCTTGGAGTGAAACACATAAAAC
CCCGAATTTACCAATTTACCAGTTTTTGTCATAAGTTGATACAGGAAGGGTGAGACTT
TAAGAGTGAAGCTAAGTCTGATTTACATTACCTTTTGAAACGTACAACCTCGAGTTCAATT
>EP33007 (+) *Sp* Spec1; range -499 to 100.

NN
NN
AAATGCTTTTTTCGTGCTCGGATAGCTCTACTGAAGACGAAACATTTCAACCAGCAAAA
TCGACCAAGGAAATCATGAGTTGGAGCGAATGAAGGTTTTCATCATCATGATTTTCTCA
TCTAATTATTGACAGTTTCCGAAAATTTCCGAAAATTTGTATATAGCACGGTCACACCGGC
AAAGCAAAAGCCGCGGTGTCACAGTGCATGAATAATGATTACATAACTTTTCGTG
AGCATATATCCAGAAATTAGTCTCAGTGGGTTTTACAATTTTGTTCAAGTGACCTTTATCT
GCGCATGCACAGATCAATCCGCGCATGCTCAGATTGTATCTACGAACGGTATATTTGTT
AGAAGTGAACCCACACTACGCCTAATACGCCTTAAACATCAGCAACGACATTCCTAGC
GTATGGTCACGTGCTTTATTTAGGAGTTATCACTCTTCTTGAATAATACTCTTCGTCA
>EP33008 (-) *Sp* Spec2a; range -499 to 100.

NN
NN
TTGTTAGAAGCTGAAACTACATACAACTTTTATTCTCTCTTAACGAAGGACGATTTTNTT
TAACAGCGGGTTTTCTTGACACCAATTTTTCTTTATTAATGAGGTCCAAGGGTCCGCC
TTAGGTCCCCTGGTAGCCATTGTGAGCGATAACAACCTCTAGTTCATCCCTTGAGATTTTA
ATCGCACTGCCCCATTGTGCGCTCCTTTCAGAGAGGCACAAACACCCCTCAGATTTAAC
ATTCTATCTCACTCAAAAATAGCAGACACGCTCTTAACATAAACAACAACAACATTC
CTAGCATATGGTCACGTGCTTTATTTAGGAGTTATCACTCTTCTTGAATAATACTCTT
CGTCAGCACTCCACCCTTGCCACTCCTTGAAAGCAAGTCGACTAGAAGAGAGGTTTAGAC
TTTAGGTACCTGAGATCCAGAGAAATTTTACTTTCTATCTTCAATTTTGCCCGTGTCAA
>EP33009 (+) *Sp* Spec2c; range -499 to 100.

CGATTTCCCAAATGCGGAAACTCGACTGCATAATTTCTGGTAGTGGGGGACTGCGTTC
GCGCTTTCCCTGATTTGTCTGTTCAAAGATAGAAAGTGAGTTTCAGCTGCTGCGTAC
AGCCATGGCTGTCCAGCTGCAGTTGGAGGCGAGGGCTGGCCTATTTTGTCTTTGT
TTTTTCTTTGTTTTGTGTTTTTTTTTTGTACCTGAGCCAGGCCAGCGTTTTCTTTCA
AAGCAGTAGGTTGCATGCATGCATGCAATGAGGGTGGAACGCGTGCAGCCTCTCGGACC
GCCCAAGGTTTGCTTTGGGCGCTCGCTTGCCACTGGGCACCCGTGGACGGCACTCA
AGCAAGGGGTGAGCGGACGGCCTAGACGAGCGACTTGCGGGTGCCTCCGCGCCAGCTCA
AGTGAGCGCGTTCGAGCACTCTCCTTATGTTGCCACCTGGTGTGGAGCAGCAGCTGTGC
TTTTCGCCGCCAACAACTCATACTTACCTGGCAGGGGAGATACCATGATCACGAAGGTGG
TTCTCCAGGGCGAGGCTCAGCCATTGCACTCCGGCCGTGCTGACCCCTGCGATTTCCC

>EP23016 (-) Rn snRNA U1 6-6(A); range -499 to 100.

CACCTCGGGGAACCAAGTCTCGAGCCCTAGTTATTAGTAAACCTTCAGAGCACTAATTTT
TTCTACTTGGAAGTTTCTGCTGCATCAGATCCAGACCAGCCGAGCCACACGGATACCCC
CCCTCCTCCTCCCAAAGGGGGAAAAATAAGGATCAGGTGAAAATGCTTGAAATTACAAT
CGTAGACTACAAACAAAGAATCCGAAGGCGGCCAGGAAGGCGCAGAAAGATAGATGACCA
GACGTATCCTTGAAGTACGGTCTGGGCGTGGCCTATGCAGATGAGCGGCGCGCAGGG
TCTGCCGGGTCCGCGCTCTCTGCGGAAACGCGAGGGATTTCGTGCGGCGAGGAAGGGAG
CGCGGGTCCGCGGTGTCAGAGGAGCACAGGTATGGCGAATGAGACAGGGGTGGTATGG
CGATCGTGTGTAGCTTAGTGACCGTGCCTAAGAGTGGAGTGGCGGCGTCCGTGAGTCGG
GGCTGTGCGGTAGAAAAGCATACTTACCTGGCAGGGGAGATACCATGATCACGAAGGTGG
TTTTCCCAGGGCGAGGCTTATCCATTGCACTCCGGATGTGCTGACCCCTGCGATTTCCCC

>EP23017 (-) Rn snRNA U1 6-6(B); range -499 to 100.

CTCTACACGGAACCAAGTCTCGAGCCCTAGTTATTAGTAAACCTTCAGAGCACTAATTTT
TTCTACTTGGAAGTTTCTGCTGCATCAGATCCAGACCAGCCGAGCCACACGGATACCCC
CCCTCCTCCTCCCAAAGGGGGAAAAATAAGGATCAGGTGAAAATGCTTGAAATTACAAT
CGTAGACTACAAACAAAGAATCCGAAGGCGGCCAGGAAGGCGCAGAAAGATAGATGACCA
GACGTATCCTTGAAGTACGGTCTGGGCGTGGCCTATGCAGATGAGCGGCGCGCAGGG
TCTGCCGGGTCCGCGCTCTCTGCGGAAACGCGAGGGATTTCGTGCGGCGAGGAAGGGAG
CGCGGGTCCGCGGTGTCAGAGGAGCACAGGTATGGCGAATGAGACAGGGGTGGTATGG
CGATCGTGTGTAGCTTAGTGACCGTGCCTAAGAGTGGAGTGGCGGCGTCCGTGAGTCGG
GGCTGTGCGGTAGAAAAGCATACTTACCTGGCAGGGGAGATACCATGATCACGAAGGTGG
TTTTCCCAGGGCGAGGCTTATCCATTGCACTCCGGATGTGCTGACCCCTGCGATTTCCCC

>EP24011 (-) Rn snRNA U1 18-5; range -499 to 100.

GCTGAGAGTGTAGTCCACAGGGTAGGAAGACTTACTTGCCGTGGCATGCGCAAAGCCCC
GAGGGTCATCCAGGCCATAAAGAGACCTTAGTTCGTACATACATACATACATACATAC
ATACATACATACATACATACATACATACATAGTGTCTCCAGGCCACTGTGTGACC
GTCGCGGTGCGCTGCAGGCCAGGGGAAGAAAAAGGGGGGGGAAAGAAAAAAGAAA
AAGGAAAAAAGAAAAACCCGCTGTGGGCGGGCGTACGCAGATGAAGCCGTGCGCAGT
GGCTGCCGCTCCGAGAGCCTTAAGGGCCGTGTCTCGGGTGGAGTGTACCGCGTGACAGG
CGTGTGATTTCCGTGAGGCGGAAGCATCTCGGCAGAGGAGTGGGGGGCGTGAGACCGAG
GCCGTGGCGCGGAGGCGGGAACCGTGCCTTAATAGGAGTGCCTGTGGGTGGAGGGCGTG
CTGGCTGGGCGAGCAACTCATACTTACCTGGCAGGGGAGATACCATGATCACGAAGGTGG
TTTTCCCAGGGCGAGGCTTATCCATTGCACTCCGGATGTGCTGACCCCTGCGATTTCCCC

>EP24012 (-) Rn snRNA U1 3-1(A); range -499 to 100.

TTTGCAATGTTGAGAAGTAGAAGCAAAAAATTTGATTCTCTAAATGCAGTGGCAATTGAC
TAAAAACAGCCTATCTTACTGCCTTGTCTGAGTACCGCCCCCCCCCGACAAATCCAA
GCTAAACTTCTGTTAATAGCAAAAGATGCGGGGGGAAAAACGTAATTCGCTTAGCG
TTGTGATAGTAGCATGAGTGGTTAAGAGTTAACGAATCCGGAAGAGAAAGGGAAAGGG
GGAAAAAACTTTGAGACGTCACTAAAGGGGGCGGGATATGCAATAGACCAAAGCAGGT
CCTGTTAGGTTTTTTGTTTTGTTTTGTTTTTGGACAGAGTATTTTCAGCAAGTATTTAG
AAGTTTGTACTCTCATCTGTGTAATGTAAAAAACTTCAGTCTTGTAAAGGAAAACCAA
AGAAATTGTAGTATAATTGACCGTAAGTACAGTACATCGATGATTAGGGAGAGGTAAT
ACTGTTGCTGTACAACCTCATACTTACCTGGCAGGGGAGATACCATGATCATGAAGGTGG
TTTTCCCAGGGCGAGGCTTATCCATTGCACTCCGGATGTGCTGACCCCTGCGATTTCCCC

>EP17025 (-) Gg snRNA U1 52a; range -499 to 100.

NNNGC
ACGGCGCGGGGGCGGCACGCGCAGCGCACACCGCGCCCTCCGATTGGTCGAGCCGAGGA
CACGTGCCCCGCGCGCCGCTCGCCACGTCTGCGCCCGCCCTCTGCCGGGTACGTGAGC
CGCCGGCGCGCCCGCCCACTTGAAGGATGAGCGCGAAAAGGGCGTGCTAAAGAAGC
GGTGGTAAAGCTATGGTACCGGCTATGGTAGGGGGCGGGGACATGCAAATTAAACCGCGC
GCTGCATGCCGGGAGCACCACCCGCGCTGCCAATGTCCGCCCCCTCGATCTCCCGTGAGC
GCAGCGTACCTTCGGCGTGGAGTACGAAGGAGCGGGAGTGGGGCGGGGAGCCGAGTGGA
ACGATGCCGAGGGTGCGGGTCCCGTGCCTACGGGCTGGTGGCGGGCGTGAGGAGCGG
GGCGGGGCGAGAGCAAAGCATACTTACCTGGCAGGGGAGACACCATGATCAGGCAGGTGG
TTTTCCCAGGGCGAGGCTATCCCTGCACTCCGGGTGTGCTGACCCCTGCGATTTCCCC

>EP17026 (-) Gg snRNA U1 52b; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNNGACCGGAAGTGGAGATCAGCCGCGGCGCGCGGACGCTGCAGTTCCGATTCCGCT
GCCGCGCGAGGGGCGGGGCCATGCAAAGCAGCCGAGCGCCCGAGGCACCGTTGTGAGCC
GGGCTGCAGCGGGGGGGCGTGCCCATGCAGATCGCTATGCAGATCGGGGTGCCGAGCGCT
CCCCGCGCGGCATGCCGGGAGCGGCTACGCCACGAACGGAACCCGCGTGGACAGCCGTG
GGCAGCGCGTGGGCTGCGGCGTGGGGATCCGGAATGGGTGCGGAGTGGGGCGGGGCGGAG
CAGCGCTTTGGGGCGCAGGTGCGCGTGCCTGCGGGTGGTGTGCGGGCGTGAGGAGCGG
GGCGGGGCGAGAGCAAAGCATACTTACCTGGCAGGGGAGACACCATGATCAGGCAGGTGG

[illegible]

GC GGAGGTTGCAGGGAGCCGAGATCATGCGACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCGAG
ACGGCGCAAAACAACAAAAACAACAAAAACTACAACAGAAACACCCGCTTCTTTGGGGAA
GACCATGGCGGGGAAGAGAGGGAAAGGAGGCAGAGGCAGACATCACTGCCCCGCAAGGC
TCTGGCACCATGTTGGTCGGCTGAGTGGCGGAGGGTGGGCGAGAAAAGCAGACCGGGACG
AGGAAGGCGCTGTCGGTGACATCACGGATAGGGCGACTTCTATGTAGATGAGGCAGCGCA
GGGGCTGCTGCTTCGCCACTGGCTGTTTACCACGAAGGAGCTCCCGTGCCGTGGGAGCG
GGTTCAGGACCGCTGGTCGGACCTGAGGGTCCGAGCTGTGTGTCAAGGCTAGGAAGGCTC
GGGGGTGCGCGGGGCAAGTGACCATGTGTGTAAGGGTGAGGTATATGGAGCTGTGACAG
GGCAGAAGTGTGTGAAGTCTATACTTACCTGGCAGGGGAGATACCATGATACGAAGAGTGG
TTTTCCAGGGCGAGGCTTATCCATTGCACTCCGGATGTGCTGACCCCTGCGATTTCCTCC
>EP17031 (-) Hs snRNA U1 (pHU1-1); range -499 to 100.

[illegible]

385/812

GATCATCCCGCTTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGACTACAGACGGTGCCATCACGCCCAGC
TCATTGTTGATTCCCGCCCCCTTGGTAGAGACGGGATTCCGCTATATTGCCTGGGCTGG
GTCGAACATCAGAACAAAGGATCCTCCTCCTGGGCCTGGGCGTGGGCTCGCAAAACGC
TGGGATCCCGGATTACAGGCGGGCGCACCACACCAGGAGCAAACACTTCCGGTTTTAA
AATTCAGTTTGTGATTGGCTGTCATTACGATATTATGCTAATTAAGCATGCCCGGTTTTAA
ACCTCTTTAAAACAATTTTTAAATTTACCTTTCCACCTAAAACGTTAAAATTTGTCAAGT
ATAATATTTCGACAGCTGTATTATGCCAAACTATTTTCTATTTGTTTCTAATGGCATCG

GAAGTAGCGAAAGTTTCTCGCCATCAGTTAAAGTTTGCGGCAGATGTAGACCTAGCAGA
GGTGTGCGAGGAGGCCGTTAAGACTATACTTTAGGGATCAGTTCTATAGTGTGTTACTA
GAGAAGTTTCTCTGAACGTGTAGAGCACCGAAAACCACGAGGAAGAGAGGTAGCGTTTTT
>EP17040 (+) Gg snRNA U4B; range -499 to 100.
CGGCATTGGCAATTTTTGAGAGCCTCCCCGAGGCTGATTTCTCGTGTTAACGATAGAG
CGACAACATTGGAGGTGAAGTTACCCCCCTGGTTCATGTATTTCCACTCCTTA
CTCCGCACTGTTCCATCCCTCGGGAGCTCCAGCAGCCGGGGGATTTGACATCCCCG
GGAGCAGCGAGGGGACGCCGACCCCCGAGGGCGGGGCTGAGCTCCGGGGAACGCCCTC
CGGCGGGGAGAGCCCGGTTTCCCGCTGACGTACACCTACTTTGCATAGCGTTCCCA
GCATGCCTCGCGGCCGCCACTGCCCAGCACGGGGGTGGCGCAACCGGGGGCTGCGCTC
CTCTCGGTGACCCCCGGGCCGCGGTACCGGGCGGGGGCGCGGCAAGAGCGGGGGG
CGGCCACGGTGCGGGGCCGCTCGCCGTGAGCACACCGCTGACCCCGGGGCGTGGGTGGC
GGCGGAGAGAAGGGAGGTGAGCTTTGCGCAGTGGCAGTATCGTAGCCAATGAGGTTAATC
CGAGGCGCGATTATTGCTAATTGAAAACTTTTCCAATACCCCGCCATGACGACTTGAAA
>EP17041 (-) Hs snRNA U4C; range -499 to 100.
TCTTGAACCTCTGACCTCGTGATCCACCCGCTCGGCCTCCAGAGTGCTGGGATTACAG
GCGTGAGCCACGCGCCGACCGGTGTTCTTCATTGAGTTTTGTACAGTGACGTCCTAA
AATTATTTCCCACTCCCCCACCCTGCTGTTTCCGCAACCTCGAGCACAGCTAGTCGTCC
GTCTGCGCCCTCCAGGCTCGTTCCTTCCACTGCTCACTCTCCTCGCTCAAATTCAGTCT
CAACCGAGTCATCTCTGTGACGTACGTTGATTTGCATAAGATTCCCCAGCGTCCCAAGC
GAATATTCTTATGGTTTTCAAACCTGAATGTTTGACACGGGATGTTCCAACAACAAGAA
ACCTCCTATGCAGATGGGCCTTAAATACGGCTGGTGGAGTGGGAACACGTCGTATACACG
GACACACGGGCAGGCACTCACCTCAATGTAATGGTAGTCATCATCCGTGGGGGAGCGGG
GCGCGAACAGAACCTTTCCAGCTTTGCGCAGTGGCAGTATCGTAGCCAATGAGGTTTATC
CGAGGCGCGATTATTGCTAATTGAAAACTTTTCCAATACCCCGCCATGACGACTTGAAA
>EP17042 (+) Xl snRNA U5; range -499 to 100.
TCAATTTTTTTGAAGCCTGGTTACACCAGTACTCATAACAGTTGCAAAGACAGATGACA
AAATGGCAGCGAGAGAGGTGCTGAAGTAGTTTCGGGCAAAAAGCTTGGCTTATCCAGCAGC
CAGGGCATGACAGAGCCGGAAGGTGTGCTTGGCTGCGTGTCTGCTTGCCGGCTGCAAGC
AGCAGCAGCAGCAGCAGGAGGGGAGGCAAAAAGGGCTCTCGCAGCCGGCCCGTGCAAGTC
TCGCCTCTAGATGCTTAGCTCCATTTGCATACCCATGCTGCATTAAGAGCGGCTCGGTGC
GCGCCGGTAGCTGTTCTCTTGACTCCTCTCCTTTCCGCTCCTTTTAACTCGGTCTCGG
AGGGAGCTTGTTCAGTTGCTCGCATGATCTGTCAAAGGAACCTTTGTTTTGGACATCCA
GATAGGCCACCTTTTGCTCTCAGCGAGTGACGCCACCTGCTTCGCAAGGTGCGCTTTC
ACCTGGCAGCATTGACGGCATACTCTGTTTCTCTTCAAATTCGAATAAATCTTTCGCCT
TTTACTAAAGATTTCCGTGGAGAGGAACGACCATGAGTTTCGTTCAATTTTTTTGAAGCCT
>EP36004 (+) Xb snRNA U7; range -499 to 100.
TAGAATGGTCAATTCTAAGGAACTTAGTAACCTAATTTCTTCTTCTGACTCTTTCCA
GTGTTTCAGATGGGGTCACTGACTCCATCTAACGAATGCTCTGTAAGGCTACAAATGTAT
TGTTATTGTTACTTTGTATTGGCTCCTCTTTCTATTAGGCCTCTCCTATTCATATTCCA
GTCTTTTATTTAAATCAATGCTAGGTTGCTAGGGGAATTTGGTCCCTAGCAACCAGATGG
CTGAAATTGTTACGACTAATACTGTCAATCAAAACCCACAAATAAAAAAATGAAAACCA
GATGCAAATTTTCTCAGTATATCATTCTCTATATCATACTAACCTAACCTAACTCAA
GGTGAACACCCCATTTTAGATAAATCAGCCCTTAGACTGCTATACCAGGCTTTTACAT
AGTAATTTACATACTGTCTCTCCCTAAGGAGCACAAGGGAGGTACTGAGTGGGATACAGT
TAGTAGGGAGAGTGTAGGTAAGTGTTACAGCTCTTTTACTATTTGTCTAGCAGGTTCTTA
CTCTGTAGGAGCCACACTGAGTATAATGATAGATTGTTATGGTTTTACAATGTGTTT
>EP36003 (+) Mm snRNA U7; range -499 to 100.
ATTTTTTAAGCAGGGCCATGGAGCCCAAGCTGGCCTTGAACCTTCTCAGCTTTTGTGC
TGGTATCACAGAAATGTGGCGCTATGCCCGTGGGGCTGATGTTCCAGAGTCTTTCAG
TGTGGGGAACCTGTAAGGATGAGACTACAAGACATCGGGCCACATCGCCTGCCACTACTT
AAGTCCGATTCACTTCGGCTTTAGCTCCAAGCCTTAACTCTCGGAAGCTCTTTTTTTTT
TTTTAACAACATAGGAGCTGTGATTGGCTGTTTTAGCCAATCAGCACTGACTCATTGTC
ATAGCCTTTACAAGCGGTACAAACTCAAGAAACGAGCGGTTTTAATAGTCTTTTAGAAT
ATTGTTTATCGAACGAATAAGGAACTGTGCTTTGTGATTACATATCAGTGGAGGGGTG
TGGAATGGCACCTTGATCTACCCCTCATCGAAAGTGGAGTTGATGTCCTTCCCTGGCTC
GCTACAGACGCACTTCCGCAAGTGTTACAGCTCTTTTAGAATTTGTCTAGCAGGTTTCT
GACTTCGGTCGGAACCCCTCCCAATTTACTGGTCTACAATGAAAGCAAACAGTTCT
>EP14026 (+) Sg histone H1; range -499 to 100.
NN
TTTAGAACACCAAGGAGCACATCAGGGGACGCCAAACCATTTGATTCCCTTGCCAGACAT
CTCGGCTCACTCCACAATCAATGGTGCTCGCAATCGGATGCACTTTTAGGCCATTTAGGA
GACAAATAGCACAGGAAAAGCAGTGCGCACCGCTCCACCCGACAGTCGAACGGTGAGGTT
TTGAGCGAGTCGAGCAAAATGCACGGGCTTCTGCAGCCACATGACTTTATTCTGAACG
GACACAAGTCTGCTCGCTGGGCCGTTTCGCTTTTGGGCCAAAAACACGGCTCCGTGGTGA

[illegible]

TTTCTTTTCCACGCCGCTGCGAGCTGGGGCGATTGCGTGGCAGAAATTCTCGAAAAACA
CGCTTTTTTGACTCCTAAGAAACACAAAATGAGCGGGGAGAAGGGACCTTTCGCCGTGCG
GCGGGGCGGGCTCTGCAACGCACCAATCACCGCGCGGCTCCTCTATAAATACGAGGCC
ACCGACTTGCTCCAGGCCAGTGTTTCCCTGATTCTGGACGACGGCTGCCACCATGT
CGGAGACCGCGCTGTTGCCGCTCCGGCTGTCTCCGCTCCCGGGGCGAAAGCGGCCGGCA
>EP11065 (+) Gg histone H1-d 02; range -499 to 100.

AATCCATATTGAGAGCTGAGAGGGGAGTTTGTGTTACTTCTCTCTTCAAAATCAATTT
AAACTGTCAAAATAGCTTTAAATCGTCAGATTTGATTTTAGTCGCAAGAAAACCTCTA
AAGAACAACATACAGTGGTGCCTGTAACATTTCTGCCGAAAGAAAATTTTAAATTTGCAA
TGAAAAACAAAAGTTTCTCTCTTCAGAGGTCTCTCCAGCAGCAGCACACGGGATTTATCG
CCTCTCTTTAACTCAGGACGCGTGTCTGCGGCTGGAACCTCTCCGAACGCAAGTACCT
GCTCTTCTCTCCCTCACCGAGGAGACGGGGCGATTTGGTGGCAGAAATTCGAGGAAAA
TACACTTTTGTAGTCCAAAGAAACACAAATCGAGCACACCGAAGGGCTCCCCGGCCGTG
CAGCGGGGCGGGCTTAGCAACGCACCAATCACCGCGCGGCTCCTCTCTAAAAATACGAGC
ATCTGACCCGCGCCAGCCCAATTGTGTTTCGCTGCTCCGAGAGGACTGCGCCGCGATGT
CCGAGACCGTCCCGCGCGGCCCGCATGCGCCGCGCCCGCGGCCAAGGCCCGCCGCCA
>EP49008 (+) Xl histone H10; range -499 to 100.

ATCGGGGCTCTCCGAAGGCTTCGGGGGCTCCGGCAACTGAGAGACGCGGAGGGATGAGA
GAGCCCCGAGAGGGCTTCCGAAGCCCCGAGGCCGTTGACTCTCTGCGCTCCTACTCT
CATCAGAGACTGAGCTTCTGGAGTCTATAGGTAGGGAGGCGTCGAGCCTACAGGGACGT
ATAGTCTCTGACTCGAAGACCTCAGATATCCATCCCTCCGAGCCTCGGATGTCCCTGCA
TAGGAATGGGCACTATGTGTTAGGAAGAAACACAGATAGTTGCGGAGCGGCGCCATGTC
TTCCTTACCCGTGATACACAAGTCTTCTTTGTGTCTATCAACGCCTCGCCGCGGTACAG
AGCCTCATCCCGCTGCAGCCGCTAGTCTCAACTCGTCCGACCCAGCAAATAAAAGG
CCGGAGTAGGGCGGACGTGCGCGATCAGGAGTTGAGCCAGGCTGGGGTCGTTATTTTCC
GGGAACCGGCGGGAGGGGCAACCTTGCGCGCCCTCCCGTTNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP49009 (-) Mm histone H10; range -499 to 100.

CGACTCGGCCCGGCTGGGAGTCGCCCAGCTCAGGGCCGCGTGTGTTAGTTGGGGCCGCTT
CTGAGCCGCTCCGCCAGGTTGGGGGACCCCGCAGGCATCCGGGAGTGGGGCTCCTGGTAG
TCCCAGGGGGGAGCTTTCGACGGGGGGTCTCAAGCCCCGGGGCTCCCCGGCTCCGCAGA
GCCAGCCCCCGCAAAGGGGAAATGTGCCGGCGCCCCAGCGCTCCTCGCGCCGTTTGAG
GCTCGTGGCGGGCGCGGGGGCGCGGGGCGCCAGGGTCCCCAGAAAGGGAAGCCTA
GGGAGCCGGGAGAGACCTCGAGAGACGGCGGGCAGCGGGAAGGCCCGGGCCGCCGGGAA
AGGTGCGAGTTTGCTCGCGGAAGAAACACAGATGGCGGCAGCGCGGCCATTCCGGGCC
GGGAGCAGGCAGCCAGCAGCCAGTCTCACCGCGGTCCGCCCGCGCGCTAAATACCC
GGATGCGCCGCCGAGCGCCAGACGAGAGCTGGGAAAAGGGAGGCTGTGGAGGCGGAGG
CAGCGCCAGGCGCGGGCGAGCGACCGAACGGTGGGGGCTGGGAGCGCAGAGCAGCTCGC
>EP48019 (-) Mm histone H1-E; range -499 to 100.

TCTGCTCAATAGGCAGGACTCTCGGAGGAGCTGTGTTACTTCTTCACTTAAGTGCAGA
TTTGTAATAAAAAATCATAATGCCAAAGGCAAGGTTTTGGGCTACACAAGAAGCTAACCAC
TTGGAGAATCGTCTTTGATGGGTGAGAAAAGTGTACAGTCCAAGATCAGTTTATAATTTA
CGAAGAAAATAGAAAGTTTGTCTCTGAGTTGAAATTTGCTGAACACCCGAGGAAATA
TTGCAAGTTTTTGGCAGAAGGCTTAATGCTTTGCTCACTTTTTGAGATGTGCATGAAGCC
CGAGACTTCGGGGAACATTATTTTTTAAAAATCGGGCAATTCGATGTAGGGAATTTTGAC
ATTTTTGGCTTTTTTGGAGTGTAACAAACACAACCTCCGCATCTGAGAGGACACTCCGCG
GCTGCCAGCGAGGCGGGCTGGACAGCGCACCAATCACGGCGCAGCTCCGCCCTATATAAA
CGGGCGGGCGCAGCGCCGCGGCCCGAGTCTTGCCAGTCCCTCTGCTTCCGGCTCGAGTT
CTCTCTCTCACACGCTTCGCGATGTCCGAGACCGCGCTGCTGCGCCCGCCGACCGGC
>EP48017 (+) Mm histone H1-A; range -499 to 100.

GCCACTACTGGCTCACAATATGAAATCACTGTGCAAGCTGACACTCCTTAAAGAACAC
TAAGCCTCTTGCACTAAATAAATAAAGTAACGATACATTGCTCCCATTACTGCCAAGA
ATCAATACTGAAACCCGAGAGAAGGCCCAAGCTGGCTTTCTGGGTTTTAATTGACTA
ATTTACAGCCACCTTTCACTAGTTGAGCTCCTTTTTGATAGGCATCTACCACTTTCTGAT
GATAAAACAGGAGAGTACAAGGAGAATCTGCTGTGGTTGAAATTCACCTCAAGCAGCCA
GCCGAGAGAAGTTTTGAGGCCGCTCCTCTACCTGCAAAAACACGAAGTAGGTGGTGGA
ATCGCAAAGGAGTTAGTTTCTGAAATCTTGCAAGCAGACAGGCGCACGGGAGGCGGGGCC
TTAGGGTCCAGGGGGCGGGCGTTAGCATTACCAATCACAGCACAGCACTGCTCTATAAA
TACTCCGTGCAGGGGCTTGTCTTTCTACTTCTTTTCTCGTCTTGGGTATAGCTGTTGT
TTATTCATCAGCAACCATGTGCGAGACGGCGCCAGTCGCTCAGGCTGCTTCTACTGCCAC
>EP48018 (+) Mm histone H1-C; range -499 to 100.

TGGTGGGTCTGTAATCAGAAGTCACTAAGGACTTGTTGTTACTTCCCTTGCGAAGAAACAG
AATAATTGTGAAAATTTAGGCGGAAATCGTTTCATTTTTGTCCCTAAATTAAGGGAAGGA
TGTGCTCTATAATCCCTGAGAAAAAGAACTTTCAAGGGCAAAGGAGCGACCAAGTAATTT
AGAAGAAAAACAGAAAGTGGTCTCTATCTACCCCGGACTTCCTTTGGAGTTGGGGGAATT

AGGGACTCCTAGGCGCGTTGTCTTTAGGGATGAGGAAAAAATAAACATATATCCTGAAGC
CTGAGACTTCTCGGATCCTTTACCGACCAAACTCGAGAGATTTGGTGCAAGATATTTTAA
TATTTTCTCCTTTTGTGAAGTGTAACAAACACAAGTTGGGCGCAGCGCGGCTGCTCAGA
GCTTGCCAGGCAGGCCGCTGGAGCACCAATCAGCGCGCGCCTGCGCTCTATATATACAGC
GCCGGGCCCCGCGCTACTCTATCGGCGTACTGCCACTAGTTCCTGACTTCAGAGACTCAT
CATGTCTGAGGCTGCTCCTGCTGCCCCGCTGCCGCGCCCCCTGCGGAGAAGGCGCCTGC
>EP49013 (-) Mm histone H1t; range -499 to 100.

TTCTAGGAACACCGTCTAATTCCACAGTGAGACAGTCAAGACATCTGTGTTACTTCCATC
ACGTATATAAATAATTTTCAGTGAGAATTAGGGCCTGCATAATTGATTTTCTTCACTAAAT
AGAAGCCACATATGTAGAAGACCCCTCCCAAGATGTTGGATACATTTTCTACTAAAAGTT
ACTTTTGAGTTAGCAAAGAAAAGAGAAAAGTTTCTTCTTCTTTTGAATTTGATTGAAAA
TCAAGGACTTTTCCCCTAGTTCCTGGCATGCAGGTACATTTGTCAACAAAGGGTAAAAAG
TCGCGTGGAATCTAAGTCCCCGTGGGTCACTGGTGTACATAACCTGAGCAATTCGCGT
GAGCAGATATGCAAGATTCTACTTTTGGGGGGAAAAAGAACACAAATGCCCTCCTCCGG
GGCGGGGGGAGGACCTGGGAGTGCACCAATCACAGCGGCCCTGCTCTATATAAGCGCC
CCCCCCCCCGCAGCGCCCTACTACCCATCATCTGTTGGCTCTCCTTTAGTTTCACTTG
GTGTAGTTCCTGTCCAGTCTTGACCATGTGCGAAACGGCTCCTGCGGCCTCAAGTACC
>EP49001 (+)Hs histone H1t; range -499 to 100.

TATAAGCATCTTCTGACTCCGCAATTAGACAGCTAAGAGATCTGTGTTACTTCCCTCACA
TATATAAATAATTTTTAAATAAAAAATCATGGCGTGAATAATTTCTTTCCTCTACCGATTG
AAGCTATCCATTTGGAAGACCACTCTGAAGAGATGAAATAAGTCTTCTGCCAAAGATTAC
TTATTAATTTACAAGGAAAAGGGGAAGTTTTGTCTCTCCGTGAATTTGATTGAAAATC
GAGGGCTTTCTCGAATAGTTTTGGCATCCAGGGTCATTTTTATTAAAAAGAGAAAAAGTC
ATGTCAAATATGAATTTCCGCAGATTATTCAGCACTAGACCCTGGGAGATTCTGTAAGA
GGGGTTTTGTTATACTCAACTTTTCCGGGTAACAACAAACACAAATACTCCTCTCCAAGG
GGCGGGGGCGGTGCCTAGGTGATGCACCAATCACAGCGCGCCCTACCCATATATAAGGCC
CGAGGCGCCGCGGGTGTTTCATGCTTTTCGTGGTTATTACATCTTCGCTTCTCTGTTG
TATTGTCTGAACCGTGCTGCAGCTTCTGCCAGTGTGGTGTAGCCGCTATGGAGAAAC
>EP30042 (+) Hs histone H1a; range -499 to 100.

GGCTGTAGGCAACCAGCTGTCTGTGCTGTGTTACTTGTCTACAGTTAGAAACAAACTTC
ATGCCCAAACCAAGGAACCCAGTGTCTTTTCTCTTGCAAAAATCAAAGCATGAACCTCATG
GGCAAATTTTTAAAAATAACTTTCACTGGATACTTAGTAGAAATTTATCGCGACACGCTA
CTAACTAACATGATGCCCTCAGCCCAATGGATTCTTATGAAAAGCTGAAGGGATTTTTTA
AAATATCTTTCATCAATTGCACAAGATTCTTGAAAAACACAAACAAGTATGTGAACCTGGA
GGCTGTTTTCTCCTTTGGAGCTTCAAAGTGCCAAATTCTGTACCATTGTTTTAAGCATT
TAATCAAATTTTGAGGACTAACAAACACAATTTGGGAGTCCAACCGCAGCGCGCGCGC
CAGAGGGCGGTTGGATTGGACGCTCCACCAATCACAGGGCAGCGCCGGCTTATATAAGCCC
GGGGCCCGAGCATAGCAGCAACGCAAAACCTGCTCTTTAGATTTCGAGCTTATTCTCTTC
TAGCAGTTTTCTTGCCACCATGTGCGAAACCGTCTCTCGCAGACAGCCACCCGAGCGCG
>EP11066 (-)Cm histone H5; range -499 to100.

NN
NN
NN
NN
NN
NN
NNCCCTGTCCC
ACGGTGTCCCTCCCTGTCGCCAGTGCACCCCAGTATGCGGGGCGGGGCGGGACGGGAC
GGGGGGGGGACAGGGGGGACAGGCAGTCCTCCCGCCGTCCGCACCACACCCTTAAATT
CGGGGAGTCGCGGGTGCGCCGACAGGCGGGGAGAGGAGCAGAGGTGGCGGCACGGT
GCCCGTGTTCCTGTAGTCTCTTGTAGCTGCCCGGTGCCCGGTGCGCAGCTGG
>EP11067 (+) Gg histone H5; range -499 to 100.

TTTCCTCCTGTGTCCTCCATCCAGTGTTCCCTAAACACCTTCTGAGTCTCCTTGCCACATCCC
CCTGCTCCTTCCCTGTCCCCAGCACGAGCTCCTCCTTGCCCTGCACATTACCTCCTTGTC
TCCTGATCTCCCTCCCAGCACCTATCCTTGCTCTACCCAGTGTTAGTCCAAAGTACTCCT
TTTCCCCATCACATCTCTCCCTGTCCCCTGCTGTCCAACCCACTGTCCACCTTTGTCCCC
ACCATGTCCCACTTTATCCCCTGGTGTCCATCCCATTCCCACCGTGTCAACCCTATCCCCA
CCGTATCCCTCTCCATCCCTTAATGTCCAACCCCAGCGTCCGCCCTTTCCCCATCACAT
CCCTTCTGGTCCCAACCTCGTCCCTCCCTGCCTGCCCCAGGCATGTCCCTGCGGGGCGGG
GCAGAGGGGGGGACACGGGGACAGGCAGTCTCCCCGCGGTCCGTGCCGCACCCTTAATG
CGTGTGGTGGCAGCGCGCGGCGCAGCAGCGAGCGGCGGCGGCGGCGCAGCAGCAGGAGC
AGCCCCACATCCGTTGTTGCTGGCGGCTCCTTTTTTAAGTCTCCCTAACCCAGTGCCTGC
>EP07049 (+)Sg histone H2A test.; range -499 to 100.

CAACATCCAGGCAGTGCTGCTCCCCAAGAAGACTGAGAAGGCCGTCAAAGCCAAGTAAAA
TCGCTGGTGCGGCTGCAACCTGACTACTCAACCCCCAAAGGCTCTTTTAAGAGCCAACCA
CCTAGCTCAACAAAAGCGCAAAGTGCTCTTTCTATGCTGGCCAACCTATTTGGCGTGTTT

GTTAGATACACACACATATACACGGCACCGTATCAAGTGCCACATGAGGCCTAAATG
AAGGATAACAAGTAGTAGGCTCGAATGAGAGCATTATTGCGCGTAAAATGTAACGTTGCT
CGCGGCCCTAACAAAAGACCCAAGCGCGCTCGGCGAGGGTGGGGTTGCATTTTGGGGC
GGCACGGGAGGCCGAGCCTCCCGTCCAATGGGGCGGAGGAGGCCTCCGCAACGGGCCAAT
CAGGGCGGTGCGGGGATGGTGACCAATGAGCAGACGCCGCTGCCGGCCTTATAAACTTCA
CATAGGCATTTTGAGGCTATACTCCGACTGTGAAAGAAGGAAGCTAGCTAGCGCCATGGC
CAGAACCAAGCAAACCGCTCGAAATCCACCGGTGGCAAAGCACCCAGGAAGCAGCTCGC
>EP33017 (+) Gg histone H2A-II; range -499 to 100.

TGTCGTTGACGAACGAGTTCATGATGCCCATGGCCTTGACGAGATGCCCGTGC GGGGT
GCACCTGCTTCAGCACCTTGTACACGTAGATCGAGTAGCTCTCCTTGC GGCTCTTCTTGC
GCTTCTTGTCGCCCTTCTTCTGGGTCTTGGTGACCGCCTTCTTGGAGCCCTTCTTGGGGG
CGGGTGCGGACTTAGCCGGCTCGGGCATAGTGGCACAAACGCGCTCACGAAGCGATGCGAA
CAAAAACGACCAGGAGACGCTGAATGGAAACGAAACGGTCTGATGGCATTATTTATAGCC
CCTCTATGCAAATGAGAAAGCATTCCTTTTCGCACTCTTTTCATTGGTCGGAACTCGAGAACA
CGCCTTTCTCTCCCTTATAACTGCTTTTCATTGGTTCAAATTCGATTCTGTTTTCTCATTGG
CTGCCAGAGCGGACCCGACAGCTCAGCCTATCAGCGAGAGGCGAGGAGGCCAAAGCGAGA
CGGTAGCCGAGCTCCGTAGGTTGCGCGCTGCGCTTCTTGCTCGTTTGTCTCTGAGTGTT
CAGTCGTCGATGTCTGGGGCGCGAAAGCAGGGCGGGAAGGCGCGCGCAAGGCCAAGT
>EP33018 (+) Gg histone H2A F; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNGATCCGCAGGCCACGCTCCC GCCCCCCCACC
CCCGCCTTCAGCCTTCGCGTGCCGTGTCAAAGGAAAAACAGCCGTTAAACGGGCGCGG
GGCGGGGCGCAGCGCGCGCAACAAGCGCGCGCGATTGGCGGACAGCGGGGCGTTCAA
ATCAGTACGGGGCGCTCCGATTGGCTGGGGTGC GCGCGCACGCGGGCTCCCTCCTCGC
GCTCGGGCGGGTATTGCTTGCGGCTCCTGAGGCGTTTCGAGCGGCGGATTCGGGGACCG
>EP49010 (+) Mm histone H2A.1 53; range -499 to 100.

ATTCTACGTCAAGATCAAGAAGTAGTTAAACCTGAAATGGCCTTACCAGGAATACAAGAT
GGAGGAAGTGCCACACTGACTTTCCTTGTGCATAAAAACACAATTCTAAACCCTGAAAAACA
GGACAGTAGCTTAACAACCTCAGAAACACTCCTACTCTATATTTTCAGAGTTTCTAAAACCTA
CAAAGACCTTGATGAAAAACAAGAATAATCAGTCAGTTACTTATTTCCATTTAAGTAAA
AACTGGAAGAAAGTAAAAAAAGTTCTTAACCTATTAATCATGAAAACAGAGTTTAAA
TCCCAGAATCTACGTGGTTTTTATTTTTTAAAGAACGATATGAAAAAGGACTGGATGCGA
AAAATAAAATGCAGGCCCTTATGCAATGAGGAGCTCAAATTCGGCTTCTATTGGGTG
CGATATATTAACCAATGGGAGAAACACAACAGAATACCTCCAGTTAGTATAAATGCTTG
CTGTTCAAGTTCAGCAATTTACTATATATCTTTTCTTCTGCTGTTTGCTTTTACTGAT
ACTTAAACGCATACATGTCTGGACGCGGAAAGCAGGGTGGCAAGGCCCGCGCTAAGGCCA
>EP23007 (+) Mm histone H2A 291A; range -499 to 100.

TGCGCCAGGCGGGAAGCCTCGCTCGCGATGCGCTCGAAGATGTCGTTACGAACGAGTTC
ATGATGCCCATGGCCTTGGAGGAGATGCCGGTGTGGGGTGCACCTTGCTTCAGCACCTTG
TACACGTACACCGAGTAGCTCTCCTTGCGGCTGCGCTTGCCTTCTTGCCGTCTTCTTC
TGGGCTTGGTGACGGCCTTCTTGGAGCCTTCTTGGGGCGGGAGCGGACTTGCGCGGC
TCAGGCATACTGAGAGGATGAAGTGAAGTAAAGTTGAAAAAGGATAACTAAAAGTTAATGA
CTGTTCTGGCTGCATTTTAAACAACTTACGGCTATGCCGAACCTGAATCACCATACGTC
ATGTACTAACAGTCCAATCAAACAAGGGATTTTCAAACACAGGGCGCCATTGGTAACCA
ATGTGTAAACCAATGAAATCTCTCCGTTTTTCGCTGCTCAGCCTTGACTATATACATATGCG
TATACCGTTTTTGTCTTCTACTCGGGTGTTATCTACAGCTGAGTATGTCTGGACGCGG
CAAGCAGGGCGGCAAGGCTCGCGCCAAGGCGCAAGACTCGCTCCTCCGCGGCCGCTGCA
>EP49005 (+) Mm hist. H2A(A)-613; range -499 to 100.

TGCTATGCGCTCAAAGATGTCATTGACAAACGAGTTCATGATGCCCATGGCCTTGACGA
 GATGCCGGTGTCCGGGTGCACTGCTTCAGCACTTTGTACACATAGATGGAGTAGCTCTC
 CTTGCGGCTGCGCTTGCCTTCTTGCCATCTTTCTTTGCGCCTTGGTGACAGCCTTCTT
 GGAACCTTCTTGGGAGCGGGGCAGATTTGGCCAGTTCAGGCATGATTAAAGCAAACA
 GTGGAAAACAGTCTAGTAAGTAGAAAAATCAACCAGGGACCCGGAGGACTTGAGCCCTTA
 TGAACGCCTTATGCAAATTAGGTCTCAAAGTACTTTAATTTCCATTGGCCCATACGCGA
 AACTTGCCTTTTTCAGTACAAGCCTAAAATTTTCAGATTTTCATTGGACTTCTCAGGGGCCAA
 ATAACCAACCAATGAAAAGCTCCCTCCTCACCCACCCCTAGGAGCGCCTATAAAGGCCTT
 AGAGACGAATCAACCTAGCTTTACAGAAGTTGTCACTCGGTGTGCTCTACATTATACTC
 TAAGTTATGTCTGGCCGTGGCAAACAGGGAGGCAAGGCCCGCGCAAAGGCCAAGTCGCGG
 >EP49006 (+)Mm hist. H2A(B)-613; range -499 to 100.

AGGGGCAAAGATGGGGAGCCACTGTCAAGGGTAAGGAAGCGAAGCAACTTTCCTAATTCC
TTTACGGAGCCTGCTTGTGTGAGACATGGAGAGTAATTTAAAGCTCCGGGGTGGGGGTGG

TGAAAGCATGCCTACTTTAGCCGGACTGTACAATAATTATTTCTGGAAGCTCTAGGTGA
 ATAGTATGTGATGTCTCCCATTTCTAATCTTTCTTCATAGACAATTTCAAACAGGAAAC
 CAACTTTACATGTAGCTAGAATTTATATGAATTTGTATCTAGGGAGAGATTTTTATT
 GATACTACTAACAATAAATCTTTAAAAAGAAAATGGCTTTGACTTTAGTACAGTATCAA
 ACCAACTTTTTCTAAAACTATTTCTGTCTAGTTTTCATAGAGTCTATTGGCTAAACTTG
 GCCAATCAGAAGAAAGAAACGAGTCTTCATTTGAATAGAGCCCTGTAAGATTGGTCCGC
 TTCTCCGTGATACTTACGCAACTAACCCTGAGCGAATATGCTTCCTTTGATTGGACAGT
 TAGTGTCTGACGTTTGAGACTCTCTGACAAGGACGCCACCGCTTTATTTAAAGAGCAG
 GAAAGGACGGCAACAGTTCAATATCTCTTTCTTGGCCTACCTTCATTCTCTGTTCTACTA
 TGCTGTAGCCCGCCAAAGTCCGCTCTCTGCCCGAAGAAGGGCTCCAAGAAGGCCCTGACCA
 >EP23008 (+) Mm histone H2B 291A; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NNNAATTCTAGCCTTCCC
GCCGGAATAATACGTACAGAACGACTGGTTATTGATCAGCAATCAAATGGGAGTATTT
AGAGCGGGCTCTCACATTCGATGTTATAGCCTTCCTCTAACCATAAAATTTAGATTTT
CAGTCAATGACTTAATTTAGGTATCCAATGAAAAACGAGAGATGTGTATAAATAAGAGG
CAGGAAAACAATTCGCTCATACATTTTTAGTTGCATTGTATAGCTATGGCTCGTACTAA
ACAGACCCCGCGCAAGTCCACCGGAGGGAAGGCTCCTCGCAAACAGTTGGCCACTAAGGC
>EP33027 (+) Cm histone H3 L: range -499 to 100.

ATATGCTGATAAACAACTAATCACTGTACAATCAATCCTCACTTGAATCCTGTTTATGTG
CATGATTGACAAGTCTGCCATTTGGCAAAGTCAAAATCAGCAAAGGATGTTAAAGCATT
TGGTGGTATCACAGCTAAAAACATTTCCCCTAGACACCCTCCCCCTACACACACACCTC
GTTCGGCAAATTGAATTCAGGGGGTCAATGTTCTTAGAGCCTCTTTTTAAAGTCACTAC
CTACCTTTTACACATCTTTTCATTTAATCTGAAGTAGGAAAAAGAAAGTAAGAAAAAGTGC
TTTTAATAAAAAATTACATTGATTTAAACGAACCTGCGGCGGGATTTTCTTTTCAATGAGG
AAATTGCACACTTGTTTAAACCATGTTAGACTGCGAAAAACAAAAGGACTCACCAGCCAA
TTAAGTTGATCTGGCAGCCATTTTGACCAATCAGAACTCGGCCGTCTGTATAAATTTTGG
TGTTTGAAGCTTTCCTCCATCACTTTGCTTTGGAAGCTCGGGTGTACCATGGCTCGTA
CTAAGCAGACCGCTCGCAAGTCCACCGGCGGCAAGGCCCGCGCAAGCAGCTGGCCACCA

>EP48014 (+) Mm histone H3.1-I; range -499 to 100.
GCAGATACACTGATTTTGAATTTTTTCGCGCCAAAATCGCAACCGCTGAAAGGCAGTAT
CAATTGCAACTTCTAAAAGTTTCCGGTCATAAAAAGTGTGCAAGCAGTTTTTGTAGCGAAA
TCAAGTGTAAGAAGTGCTCATGACTCCAGGAATAACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGT
AATTTTCTTTTCTAGATTTCTTTCCATTAAATTTCTGCCCCCAAATAACGGTGCTCTTGT
TAAATAAATAGCGAAGAGGTCTTTTACCTCCAAAGCCAACATTATCTCGAGATGATAAA
TTCTGGGAGTTGCTAGAGTAATTGTTATGTAAAAAGATGAAATTTGTACGTTAAATATAA
AATGTAGGCAACGTTTTTCTTTCTTACTCGGTTTAAACGCGGACCAATCCCCTGTCTG
GAACTATGATGTCAGCAGTTTACTGTCCAATCCAAAAGGGTGGCTTGTATATATATACT
TGGGCTTTTCCATCTCAACACCACTTTATTTCACTTTCTAGTGTACTGAGATGGCTCGTAC
TAAGCAGACCGCTCGCAAGTCCACCGGCGCAAGGCCCGCGCAAGCAGCTGGCCACCAA
>EP49015 (+) Mm histone H3.1-221; range -499 to 100.
TCCCTTTGATATATTCAAATCTGGTTTGGATTGGCTCATTTACCGGCTGAGAAATAACG
TATCATGTGCAGTCTAGGCACAAGAAGCGGAAAATAAAACCAAAGCGGGTAGAGAACA
TATTTTCCAGAGTGGTTTGTGGATATCTAGGGTCATGAGATTTCAAATTCAAGATTTCTT
TGCCTCAAATTTCTTAAAGCGACTCGATACAAGGATGGAACATAAATTTAAGAAAGCTCG
GGTGTGCCAGACTAAAACATGAGTGTAGCAGTCTGTACTAGCAGGAGACTGTGTGCAGGA
GTTAACCAATCGGGTGTGCAGGAGTTAACCAATCACCATTGAATTCTCAGCCAATAGT
ACTACTGCGCGGGACACTTGAAGAGCAGACACGCCTATCAGGATGCTTCTCGGTGGGAAG
GAGGGGTACGAGCGCGGTACGTGTGTGCGCGTGTGCGAACGCAAGCGTACTTAAAGGC
CAAAGTGCCTACTTAGGTATCTCACTTTTCCCTACGGTTACTTGCCATGGCTCGTACTA
AGCAGACCGCTCGCAAGTCTACCGGCGGCAAGGCCCGCGCAAGCAGCTGGCCACCAAGG
>EP29020 (+) Cgr histone H3.2; range -499 to 100.
NN
NNNGTACC
GGGCTGGGGCTGGGGCTGGGGCTGGGGCTGGGAAACATTAGCTGAGTAGCTGAGTT
CTGCCCTGGGACTTTGGACGGCGAGCGGGGTGCGGCCGACGTCCCTCGGGCAGTCGCTTG
GGACCCGCCCTCTTAAAGGGCTAAGCCTAACCAAGACCGGGCTCCACCCTCGCAGAACCT
TGGCGAGTCAGCCAGCGCGGGGTGGACAAGGGGGCGGGCGGGGAGGGGGAGTGGCGGG
TCCAAGCCAATGGGCGAGCGGGATGGTGACGCCCGGGCCAATGACCGGACAGCGCGGGAG
TTTCAAGTCGCTGTCTCCGCCCGCGGTGGTGGGGGGGAAGACTGGTCTATAAAGACG
TCGGCTGCGACCTGGGTCTAGTCCCCGTGTGCTCCTCGTCTTGGTGACTTCTGTCTCCG
CATGGCCCGTACGAAGCAGACCGCCCAAGTCCACCGCGGCAAGGCCCGCGCAAGCA
>EP48008 (+) Mm histone H3.2-B; range -499 to 100.
AGTGGCCGCCAGATAAACTGCATTAGCAATTTCCATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT
GT
ATATATATGTATACATATACATATATAGATAATGGCAGAGGCAGGAAAATGGTTAA
ACTAGAATTTTAGAGCACTTTGTTCTGGGAACATGCTTTGTGTATAGTAAGTCAGGTTCA
CAACCGGAAGATGACACGAGTAACGTTCTGTGAAATGTCTCCGGGCTTACCAACAG
CAGTTAGAACCTGATTATTTAAGGGGACGGAATTACCATTGGTTATTTACCAATCAAAAA
TCGTACTACAGGAATCGGCCAATCGTCAATCCCCAGATGCACTTCCGCAAATTCGAATG
ACGCCCTGAGTGTCTGGCCAGAATCCAATCAGAGCGACGCAATTTCCAGCATAAATAGCA
GCAGCCCCGAGCCCTCTGCTCCCGTTTCTCTCCTCTGCAATGGCTCGTACTAAGCAGACC
GCTCGCAAGTCCACCGGCGCAAGGCTCCGCGCAAGCAGCTGGCCACCAAGGCCGCCCGC
>EP11072 (+) Mm histone H3.2-C; range -499 to 100.
TACTAGAAAACATGCTAGTGTTTTTCTGAAGATAATTAGGGTACTCATGCTAAGACATT
TGTAAGATCATTAAAAGATGTACAAAGTTGGGTGTGCTGTTCGGTTTTATTTTGGTCC
GGATAGTAACTGCTCCCTTACATCTCCTTAAATATAAAGTAAGGAAAAAGAAAAAATC
AGTTCCGGTAACCAAGTTCAACAAGTAATCCTTGGGGCCGCTGTGGTATCGCCAAATCT
ACATAGTATCTTATTAAATGTTTTGACGAAAATGTAACAATTACGGTACTTAATGGT
AACCAATGTGGCTGAGGAAGCAATAGTTAACAAAGAGGAGTAAGCCAGGTAATAAACCAGA
TTTCTATTGGTCACAAATTTGAAGTTGAGACCTGTTATCCAATTACCAAGTACTTCCGCA
TACATCATAGGCATTTGAAGATTTCAACCAATCAGGAGCATGTTCTTCTATAAAGGAA
CCCAGAACCTAACCTCTGCATTTCTATTTCTTTGTAGAAATGGCTCGTACTAAGCAGAC
CGCTCGCAAGTCCACTGGCGGCAAGGCCCGCGCAAGCAGCTGGCCACCAAGGCCGCCCG
>EP48009 (+) Mm histone H3.2-E; range -499 to 100.
TTCATATTTAAAAGCCAGTTTTCTACGAAGTAAAGATTGGTAACCTTTAAAATAACTCA
CCCACAGCGCTTGACATACTAGTTGCCCTTTAAGACCAAGAATGTGAGTTAAGATTGT
TGGATCATGATTTTACTTTACCCAATCCAAAGTAGTTACAAGTTATTACGCTTTGTACC
TTGTAACACAAAATTACAAAGGAATGGAGCAACGTCTAGGCACTCAGACTTGCAATCACC
GCATCTCGAAAACAAGATTGTGATTCCATCTGGAGATAAAAACTCCATTAAAAATACCAAT
TTTAATTTTTTCTTTTTTTTGTAGAACAACCGTAAGTGTGAGTGTGAGAACAGGTAGC
CAATCAGATACTCTTAAACTACCAATCACACGGGCTATTTCCAGCCAATGAATTTGTA
GCGCGGACTTTCAAAAAGTTGAAGGCCAATCAAAATGTTTCTTAGTATATTTAAGGGC
AAGATTTCTTCTGCTGCACTTTTGTGTATCTCTCCCAAGAATGGCTCGTACTAAGCA

GACCGCTCGCAAGTCCACCGCGGCAAGGCCCGCGCAAGCAGCTGGCCACCAAAGCCGC
>EP48010 (+) Mm histone H3.2-F; range -499 to 100.

ATATACACTTACTGTTTTTAGGAAAAAGTTCTCATTTATCTAGGTAACCGCGTGTAA
AATTACTCCTTTACTGATTATGTTAATACTGTAATCAAACAGCTTCCTTAGTGAAAAAG
ACTCAAAGTTTAAGTTTTGATTTTTCACGTGTATCTTCAATCTTCATGTAGAGGAAACA
ATGACAACATCTAGTTCAACAATTGTCTATAGCCAGGCGCGTTTCGTTTTGGGGTCACAA
TTTTATAACAGTACACAAACGGCATGTTATATAATTAAGTATAGATTGGATAGAATTTG
TTTTGTGAAAGATAAAAAGAACATATAAGCATATAAAGTATAAAAACAGATCAAGAAACA
AAATATTAATAAATAATGGGGAGTGGCCTGGAGAGATATTAGCAAATCTACCAATAAGGTC
GCTGTGGTAATGTATTGTTTCGTCCAATCAGAACGAGGCTCTTCGCTTTATATATATGT
ACTCCGGCCACAGTTTATTACCGTTCTCATTCCCTGAGACTTCTCTCTTTTCTTATCAT
GGCTCGTACTAAGCAGACCGCTCGCAAGTCCACCGGCGGCAAGGCCCGCGCAAGCAGCT
>EP48011 (-) Mm histone H3.2-G; range -499 to 100.

AGCATAATGGTAGTAAGGGCTAAGGGCCATTAAATCCCCTTCCATAGTTTCGGCAGTAT
TTTAACATAACATGATCTGCCTGTGTGTATCGGTTTGCAAATATTTGATTTTAGAATTGAT
AACTACATTTATTTAACTAGGTCTTGCAAAGCTCACAAAACCTACTTTAAATTTCTAT
GTTCACTGTTTGTATTACCTGAATTTGAGTTTCAAAGCTTGAGACAATTTGATGTATGTA
TGTAAGTAAAAATTATGTAAAACTTTCTTATGTAAAAATTTCTGTTTACAGGAGTTATATAC
ACTACAGTGTAAAAATTAAGTGATAGCAAAGATGGAGGGGAAGAGAGGCGGAGAGTGTGC
ATGTTCTGAAAGCTTTTTAAACAGGATTTAGAAGCAGAGGCTGACCAATCCCAACAAAGC
GCGGGCCCTTTGAATGTTCTTCGGTCCAATAGCGGATAGTCTGATTGTATAAAAGGTGGA
CAGCGCCTTGACAGTCACTATAGTGTAGTCTATTTTCCCTTGTTAAAGTCATGGCTCGT
ACTAAGCAGACCGCTCGCAAGTCCACCGGCGGCAAGGCCCGCGCAAGCAGCTGGCCACC
>EP49016 (-) Mm histone H3.2-614; range -499 to 100.

GACGTCTAGGCCAATCTAGACATAAGTCGCAGTCAGCCGCGCTCTCGTCCGGTCTTGCG
GAATGTCTAGGAGGAGGAGGTGTCCCGCGCAGGACTGAACGTACTCCGGCTCTAGGGATC
ATGGGGGACTGGGGCTGGGACTGTGGCTGTGGCTGGGCGGTGCTGCACAAACACTAGATT
AGTTCTGCCCTGGGAACTTTGGGCGGCGGGCGGGGCGCGGAGCTCCTCTTGGGCAGAG
CCGGGACCCGCCCTCTACGGGCAGCTGCCAGACGTGGCTCCACCCTCGCAGAACGTTGGC
AAGTGGACCGGGCGCGGGGCTGGACGTGGGGGGCGGGTGGGGGCGGGTCAGGTGGCGTGG
CGGGCCCGAGCCAATGGGCGAGGTGCGGGCCGGTGACGCCACGGCCAATGGCGCGGCAGC
GCGGGAGTTTCAAGTCGCTGTCTCCGCCCGCGCGGGGAAGACTGCGCCTATAAAGGCG
GCCGGCTGGGGCCGGTACAGTCCCCGAGTGTCTCTCGTTTGGGCTCTTCCGTCTTCG
CCATGGCCCGTACGAAGCAGACCGCCGCAAGTCCACCGCGGCAAGGCCCGCGCAAGC
>EP49003 (+) Mm histone H3.2-615; range -499 to 100.

AACTAGGACGTCTAGGCCAATCTAGACATAAGTCGCAGTCAGCCGCGCTCTCGTCCGGTC
CTTGGGAATGTCTAGGAGGAGGAGGTGTCCCGCGAGGACTGGACGCGCCGGCTCTAGG
GATCATGGGGGACTGGGGCTGGGACTGTGGCTGTGGCTGGGCGGTGCTGCACAAACACTA
GATTAGTTCTGCCCTGGGACTTTGGGCGGCGGGCGGGGCGCGGAGCTCCTCTTGGGCA
GAGCCGGGACCCGCCCTCTACGGGCAGCTGCCAGACGTGGCTCCACCCTCGCAGAACGTT
GGCAAGTGGACCGGGCGCGGGGCTGGACGTGGGGGGCGGGTGGGGGCGGGTCAGGTGGCG
TGGCGGGCCCGAGCCAATGGGCGAGGTGCGGGCCGGTGACGCCACGGCCAATGGCGCGGC
AGCGCGGGAGTTTCAAGTCGCTGTCTCCGCCCCGCCGCGGGGAAGACTGCGCCTATAAAG
GCGGCCGGCTCGGGCCGGTATCAGGTCCCCGAGTGCTCCTCGTTTGGGTGTCTTCCGTCT
TCGCCATGGCCCGTACGAAGCAGACTGCCCGCAAGTCCACCGGCGGCAAGGCCCGCGCA
>EP49004 (+) Mm histone H3.2-616; range -499 to 100.

GACCGGCTTTGGTAGGGTTTCGAAATAGGTAAACCTTAAGTTTGCAATTTGGTTCCTTCA
CTATACATCGTTTTGTCTCTTTTCGGCCGTGGTACAATGCGTTCAAATCACTGGGCACAA
AGCCTGAAGTTAAATAAATGCTAATGTACAGAGAAGAGTACAGTATCTGGTGACTCGCT
ACAAAGTGAATCGCAGAACATGAAAAGGGCAAGTTTGTTCCAAAGAAACCTGTTAGAAG
AGCACACTGCGTGAGAAACACTTTAAACACTGCATTTAGGAAAGTTACATCAACTGAAAA
GCACTATCTTTTTAAACCTCTGCGGTTTATAAATACAGGAAGGAAAAGTATCAGGAGA
GAAGGAATAGTGAACCATCTTGAAACTCAGCAAATAGGATCGAATTCTACCAATCAGA
CTGCAAGTCCAGAACTCCTGCTTTCTGGGCCCAATCAAGACGAAGATAAGTCTATAAGT
ATGGCCACTTGCGCTGTGCAAGCCGAAGTCGCAAAAATATGGCCCGTACGAAGCAGACCG
CCCGCAAGTCCACCGGCGGCAAGGCCCGCGCAAGCAGCTGGCCACCAAGGCCGCCCGCA
>EP49014 (+) Mm histone H3.2-221; range -499 to 100.

TACTAGAAAACATGCTAGTGTTTTTCTGAAGATAATTAGGGTACTCATGCTAAGACATT
TGTAAGAGTCATTAAGATGTACAAAGTTGGGTGTGCCTGTTTCGTTTTATTTTGGTCC
GGATAGTAAACTGCTCCCTTACATCTCCTTAAATATAAAGTAAGGAAAAAGAAAAACTC
AGTTTCGGGTAACCAAGTTCAACAAGTAATCCTTGGGGCCGCTGTGGTATCGCCAAAATCT
ACATAGTATCTCTTATTAATGTTTTGACGAAAATGTAACAATTACGGTACTTAATGGT
AACAAATGTGGCTGAGGAAGCAATAGTTAACAAAGAGGAGTAAGCCAGGTAAATAAACCAGA
TTTCTATTGGTCACAAATTTGAAGTTGAGACCTGTTATCCAATTACCAAGTACTTCCGCA
TACATCATAGGCATTTGAAGATTTCAACCAATCAGGAGCATGTTCTTCTATAAAAGGAA

CCCAGAACCTAACCTCTGCATTTCTATTTCTTTGTAGAAATGGCTCGTACTAAGCAGAC
CGCTCGCAAGTCCACTGGCGGCAAGGCCCCGCGCAAGCAGCTGGCCACCAAGGCCGCCCC
>EP11073 (+) Hs histone H3b; range -499 to 100.

CACTGTAACTCGAACTCGGGCTCAAGCGATCCTCTTGACAGCCTTCTGAGTAGCTGGGA
TTACAGGCGAGAGCCGCCACGCCGGCTAAGAGCATTTTTCTAATTGCCACACTTCTTA
TGCGACACCCAGAAAAATACAATTTTAAATAAAGCGCATATGCAAATTTCCCTAATCGTC
TCCAATATTCTCTGATTTCTTTTTATATTTTAACTAGAAACAATTGGAGGTTTCCGCGT
TGCTTTGTGTGGTTGTAAATTTTAAAGACTTCAGGAACTTTTCCAGTACAAGACTTGTC
ACAGTGGATATAGCAGCTAAGGGGTTAACAAAATGACGTGAGAGTAGCTACGGTAATGGG
CAGGAGCCTCTCTTAATCTGCAACCAGGCACAGAGATGGACCAATCCAAGAAGGGCGCGG
GGATTTTTGAATTTTCTTGGGTCCAATAGTTGGTGGTCTGACTCTATAAAAGAAGAGTAG
CTCTTTCTTTCTCCACAGACGTCTCTGCAGGCAAGCTTTTCTGTGGTTTTGCCATGGC
TCGTAATAACAGACAGCTCGGAAATCCACCGGCGGTAAAGCGCCACGCAAGCAGCTGGC
>EP15024 (+) Hs histone H3.3; range -499 to 100.

GGCGCGCGCCGGGGCCCGCGGGGGCAGCCCTCCCTCCCTCCCGCCGCGGGCCGAG
ACGCCCCGAGGCCGGGCGTTACCCGCCGCGCCTCCGCCGCTTCCCTCCCCCACTT
CCCTCCGGGCGCCCCAAACCCGGGCTTCGGGGGTTTCGACGCCGTGCGCACACGGAGCGG
ATGGGAGTGCAGGGCGGGGGCGGGGGCTGGCCGGGTGCGGGCGGAGTCTCGGCGGGAG
CCGGCGGCCCTCAGCGTGTCTTTGTGTTGTACACACACGGCGCGAGGCGGCTGGAG
GAGGGAGCGGGCGGCGCGGGGGAGGGGCGAGCGCGGCCAGCAACGGGCGCGGGGG
GGAAGGGCGGGGGCGGGGCGGAGAGGAGCTATGGGGCGGGGCGGAGCCTTCCCTCCAT
TGTGTGTGATTGGCTGGCGCGGCGCGGGGGCGGGCGGCGTGTGTTGGGGGATAGCCT
CGGTGTCAGCCATCTTTCAATTGTGTTTCGAGCCGCCGCGCGCCGCGCTCGCTCTCAA
CGCCAGCGCCGCTCTCGCTCGCGAGCTCCAGCCGAAGGAGAAGGGGGGTAAGTTTCCC
>EP07050 (+) Gg histone H4-I; range -499 to 100.

CTTCGATTGTACGTACAGTCCCCACCATCAAAGAGCAAGACATGAAGAGTTGAAAGAC
TTGGTGCTACTCTAAATGGAAGCGAATTAAGAAAATTCCTATGGTTTGACACCAGTT
AGAGGAAAAAAACCTCACCTTGAACATAAGGTTACATATACACAGGAATTGTTACA
TGACTATTGAAAAATATTACGATACCGGAAAGCATTCAAGAAAATAAAGAGGAGCAATA
CAAAAAGAAAGTGCAATAGATTTCTCAGGTAGTGACTTTACACCGAAAAAAG
TGATGAGAGAAACAGACTGTAATGAGGAAAATGAAACGCATTGCAGCCAGGAGAAAAAA
AAAATTAGCTAGGAGGAGCCCCGCCCTCCAGGGAGGAGGAGGCAGTGGCGCTCCCGCCC
CCGCTGGGCCCCCGCCCTGGTTTCAATCAGGTCCGACCATACGCCATAACACCCGCGCG
CGCCCCGCCACATCCTCACTGTGTCGACGACTCAGGCTCTCGGCATGTCTGGCAGAGG
CAAGGGCGGGAAGGGGCTCGGCAAGGGCGGCGCAAGCGCCACCGCAAGGTGCTGCGCGA
>EP33031 (-) Gg histone H4-II; range -499 to 100.

CTTTCTGTCCACTTCATTTTTTGAGATTTTGAAAATAAAGTACAAAAATTTACAAAAAT
TCCCAGAAATTAACAAGCTGGATAAGAGTAACAAAGGTATGCGACATAAATATTAATA
AATAGAAAAATAACATAGAAATGTAATAGTAAGAGCAATAAAGTATATCAACGTATCAT
TTTACTACCGTAAAAAAGAAACAAAAAACACCACTAATCCTCACGGGGAGACACTGAG
TTGGAGAGGAATGAGGACGGAAGCACCTCTCCACGAGAGCGAGAGATGCTGGGAAAGG
GAACTTAAGGGAGGAGGCGGGATGGGGAGGGCGAACCAGGCTGAGGCCCTGGGTGACAGA
GAGCGGCGAGAGCCGAAGGTCCCGCCACACAGGGAGGAGGAGGCAGTGCGCTCCCGCCC
CCGCTGGGCCCCGCCCTGGTTTCAATCAGGTCCGACCATACGCCATAACACCCGCGCG
CGCCCCGCCACATCCTCACTGGTGTGCGACGACTCAGGCTCTCGGCATGTCTGGCAGAGG
CAAGGGCGGGAAGGGGCTCGGCAAGGGCGGCGCAAGCGCCACCGCAAGGTGCTGCGCGA
>EP14028 (+) Sg histone H4; range -499 to 100.

TTTGTGGCATTCTTGTGTATTTGTTTCCGTTTGTGCCACTTCGTTTCTCCTTTGTACT
TGTGACACTATTTGAGGTTTTTAACGCCTATCTCTATTAGGTGTGACTGGCAACTGCAGT
GGGTTGAATCCTACTAGTTCAAGTGTTCCTCAACTCCAAGCAGGGGTAGAGTAGGCATTTT
TGTTGAAGCCCTAGAGAGGCAAAACAGCTGATTGAAAGAGTTGAATCAGGCGCAACAACA
ACAACAACAACAAGAACAACCAATCAATGTGAAGAGTGGGACATCACAGTTGGGCCTT
GTGTTCAACATAGCTCAGTATTTGAGTGTGTTTCGCCGCGCATGCAAGTAGCTTTGATTT
CTTCTTCTCCATAGTTCCCTAGAACGAACGCCCTCCCTTTGCAGCAGAGGCCAGGCAA
AAGCGCGCTTTCTGTGCCACTGGGCTCAATCAGGTCCACCAACGCAGATAATAAGAG
CACCGAGCACGAAAATTAACGTCATTAATTCACCTTGAAGTCAAGTGAACACACGAT
GTCTGGAAGAGGTAAGGGCGCAAGGGACTCGGAAAAGGAGGCGCCAAGCGTCACCGTAA
>EP07051 (+) Xl histone H4; range -499 to 100.

NN
NN
CTCTACTTCTGTGCTCCCCAAACATAACTGGAAGTGATTGTGATAATACAGCGCACAC
AATGTTCCAGTTATTCTGCTAATGTGCCTTCTGTCTCTCTGTAAGAATAAATGGGAGA
AATCTCATAGGCTGTTTGGAAATATAATTAGCTTCTGAGCCAATCAGAAATTACATGAC
GAACATACTGATAAACTCCGCCTCTATGGAGTGAGTTCTCTGTGAGGTCCTCTCCAGCTG
CATATAAAGAGGTGGAGCGGTCTGAACCAATCAGAAATTACATGACGAACACACTGATA

TACTCCGCTCTATGGAGTGAGTTCTCTGTGAGGTCCTCTCCAGCTGCATATAAAGAGGA
GGAGAGGCCCTGATACGTTATATTGTGTTTCAAGAGCTCAAGAAAGAATGTCTGGACGCG
GCAAAGGAGGAAAAGGACTGGGGAAGGAGGCGCAAGCGGCACAGGAAGGTGCTCAGGG
>EP07052 (-) Mm histone H4; range -499 to 100.

AATAATGTGTCTCTATCAACGAAACAGGCGACTGTACGCAGAAACGCCGCGACCTTTCC
CTTCCACACACATTCTGGGTCTCTGCTTTTCGATTGTCACGCTGGTTACTGGAACCTTT
GCTGCGGTTTTTACCTAACAGGAGCTCCGGGCCCTTCAGTGCAGCGCACTCCCCCTCAT
CTCTAACTTTCTCTTTCTCCGGTCTTTTGTCTTTTGTAGCGTCAGTGTCTTCTAAAGTCTG
TGTTATCTCTAAGTTTTATTTGGAGGAATCTGAATTCTCCGAGGGACTTCGGCACCATAA
TTAAGAAAATCGAAAATAAAAAATAAAGGCTTGAGACTGTAAGGAACCGGTAGAGGGCA
GAGAAGAGAAAAAGAAAACAGGAAGATGATGCAACATCCAGAGCCCGGATAATTTAGAAA
GGTTCCCGCCCGCGCGCTTTCAGTTTTCAATCTGGTCCGATCCTCTCATATATTAGTGGC
ACTCCACCTCCAATGCCTCACCAGCTGGTGTTCAGATTACATTAGCCATGTCTGGCAGA
GGAAAGGGTGGAAAGGGTCTAGGCAAGGGTGGCGCCAAGCGCCATCGCAAAGTCTTGCGT
>EP49011 (+) Mm histone H4t; range -499 to 100.

GTTTGCAGTTAGGGTGTCTCAATTTGAGATGCCTTTTCAATGTTTATGTCTACCCAAACAA
AACTGCCGGGAATAGATTAACTTTACTGACATGGGACAGTCTTGGCATATTTTACCTCT
GTTTTGGACATCTAACCTGAGTCTCACAAAGAAACCATCAACTAATTTAATAACAAGACA
GAAATAAAAGCAAACGAGAAATGGGGATGTCTGCTTTGTGAATGGCCCCAATAAGCCTT
TCTTTTCATGAGAAAGATGGGGTGGGGTGGGGAGGAGGGAATGAAGTTTTTCTGCAGGA
TTTAAATGTGGTCTTTAAGAGACACCGCATGCAAAGAATAGCTGGGGCTTGCTAGCCAAT
GAAAACATTAGATTCCAATGACGCATCCTTTTTTCTCCACCCCTTCCAAGACCCGGAT
TCGGAAACCCCGCTAACGCTCTAGTTTTCAACCAGTCCGCAGAAGGCCTATTTAAAGG
GACGATTGCTGTCTCCCTGCTGTCTATAACCATGTCTGGACGTGGTAAGGGTGGTAAAGGC
CTTGGGAAAGGCGGCTAAGCGCCACCGTAAGGTTCTCCGTGATAACATCCAGGGCATT
>EP49002 (-) Rn histone H4t; range -499 to 100.

ATGAAGTTTGCAGTTAGGGTGTCTCAATTGGAGATGCCTTTTCAATGTTTCTGCCTTCCCA
AACAAAACCTGCCAGGGACGGGCTTAAACATTACTGCCAAGGGACATCCTTGGTTATTTA
ATTCACCTCTGTTTTGGACATCTTACCTGAGTCCTCACAAAGAAACCATCAATTAATTTAA
TAACACGATAGAAGTAAAAGCGAACGAGAAATGGGGATATCTGCTTTTCTGCCAATAAGC
CTTTCTTTCGCGGAAAGAAGGGTGGGGATGACAATGAGGTTTTGGCAGGACTTAAAC
CTGGTCTGTCTTTAGGAGACAAAGCGCGCAAAGAATAGCTGAGGTTTTGCTAGCCAATGAA
AACATTAGATTGCAATCTATCCTTTGTTGCCCAACCCCTTTCAAGGACCTGATTGCG
AAAACCCCTCTTAACGCTGTGGTCTTCAATCAGGTCCGAGAAGGTCTATTTAAAGGGA
AGCTTGCTTTCTTCCCTTGACTTTTACTCACAACCATGTCTGGACGTGGTAAAGGTGGTG
GTAAAGGCCTTGGGAAAGGTGGCGCTAAGCGTCATCGCAAAGTCTGCGCGACAATATCC
>EP49012 (-) Hs histone H4t; range -499 to 100.

ATTTGGCTACCTTTTTGCCTTCCCAAACATAGGGTCTTTAGGAGTGAACTTCATAGCC
AACTTATACCTTGTCCAGCACAGAGAAGGCCATCAAAATGCCTGGTTTAAATAAAAATA
TTAAAATGATTGGGAGGGTAAATCCCTTGACCTATAAATCTGACCTCCTTTAAACATTAT
TTGTATGTTCCCAATAAACTATTCCGTAATTTATTAGTTAGCAAGTGGAATAAAAAGA
AATGTGGAATGGGGCTATGCTTAGCGTCATTAAGCTGACAGGAATACAGCGCATTCAACT
TGCAAACACCCTTCCACTCCCAAAAGAGCAAGCTGTCACTGGCCAATCAAAACAATGAA
CCATAATGAAACAGTTTTTCTTGCTCCACCCACTTGGTGACCAATTTGAAAAAATAA
AAACCGCGCCAACTCATGTTGTTTTCAATCAGGTCCGCCAAGTTTGTATTTAAGGAAGT
TTTCAGTTCATACCTTCCACTGCGATAGGAATCATGTCTGGTGGCGGCAAGGCGGAAAA
GGCTTGGGGAAGGGTGGTGCTAAGCGCCATCGTAAGGTGCTCCGGGATAACATCCAGGGC
>EP11074 (+) Hs histone H4-A1; range -499 to 100.

GTTACTGTACTGTTTTTTTTTTTAAATATATTTAAAAAAGAGTGTCTCCTAAAGTGTA
AGCGCTATCATGTCTGGACTAATGTTTTAATTTAATTTAATTGTTGTCTTGGTAGAGATGG
GGTCTCGCTATTTTGTCTACGCAGATCTCAAACCTCTGACGCCCAGGTACACTCCCCTCT
CGGCCTCCTAAATGGTGGGATCACAGACGTCAGCCACCGAGCCCGGTCACTTTTTTGT
TTCCCCACAGTATTGATGTATATCTTCTGCGTTCAAAGCAATTTTTTAAAGCCTCATAA
CGTGGTAACAGAATACTTTGCACATTACAAAATTCAGAACACGGAACAAGAAGCTCGCT
TTTTTTTCCCCCTATTTCCGTTTGGCCCTTAGATTTCCCTCCCCACCGGGCGGGA
CTTCCCGCCGACTTCTTTAGGTTCTCAGTTCGGTCCGCCAACTGTCTGATAAAGGCGCT
GCCTCAGGCCAGAGGCTCACAAAGCGTTGGGTGAGACTCCTCTTGCTCGTCATGTCTGG
CCGCGGCAAGGCGGGAAGGGTCTTGGCAAAGGCGGCGTAAGCGCCACCGTAAGTACT
>EP31008 (+) Gg HMG-14b; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NNCCCCCGCGTGAGGGGAGGCCCGGCGCAGTCCACCCCCCCCCCCCCCGCTGCTGCCCCG

CGGGAGGCGGCGCTGGCGGCTGCCGCCGAGCGTGAGAGCGCTCGCCCCCTGCCCGCCTC
TCCCCCGCCAATCCGGCTGGATCCTGTTGCGGCGCCGCTGGCGCTGCTGGGATGGGGGGG
GCGGTTTTCCCTGCGCAGCGCTGGCGGTGAGGCACTCAGAGCGCAGCAGCAGCCGGGCGG
GAGCCACCGTGCGCTTCGCCATGCCGAAGAGAAAGGTGAAGCGAGGGGGGAACAGCGGAG
>EP31007 (+) Hs HMG-14; range -499 to 100.

CCCTGGATAGCTTTTCTTGCCGACAGAGCGGGAGAAATTTGCTACTTCTGTATACCTT
ATCCTTCTCCCTTCCAGTCTAAGATACGAATAAATGTTGGAACCAATTACCCCCG
GAGGGGAGGGGCGAGATACAGTGGCCTGAAGGCGCCAGGTATCCAGAAGAATTGTGGG
TGGGGACCCGCGGTCCCGTGACGTGCGTCCGCCAATCAGCGCGCAGACCGCACTTTGCGG
CTCGGCTTCAAACCTACCGTGAGGCGGAGCGCCACTGGGACCCCGCCCCCTTCGCTGGG
TCTGGGGCCCCGCGAGACGGCGGAAAGGGGTGGGGGCGCCCCGGGGGGGGGGGGGGGGCCC
CCGGAAGGGGGCGGGGTCCGGGATCAATTAAGGGCCCGCTCACCTATTCCGGGCGCGGG
CTGAGTCCCGTAGCCAATGGGCGGGGTGGGGGGCGGCCGGCGGGGAGGGGGAGC
CCGCGGCCGGGACGCGGGGGGAGGAGGAGGCGGGCTCCCAATCCGGTTCCATCCGGTTC
TCCCACCGCCCCGCTGTGGGTCTCAGCAGCTCGGGCGGCGGAGGAGTGGCAGCGGCAA
>EP31006 (-) Gg HMG-17; range -499 to 100.

GAGCGCTCAGCAGGAGGCGGCGAGCGTTGGGGCCCCGGCCCCGCGGAGCAGCGGCCCGC
GCCTGGTGCTGAAGGAACAGCTCCGCTGCGCGCCGCGCAGCAGGGCCGCCGAGAGCCC
TGAGGGCGCGGGGAATCCGCGGCGCGCCCCGACGGCCCCGTGCGCGCCGCGCCACCG
CCCCCTCCCCACGCGTTTCCCGCCGTAGGGCAGCGCGCAGCGCGGAAGGCGGTGG
CAGAGCGCGGTGGGGGGCGGNN
NN
NGCTCCCCCGTCCCTCCCCGCTGGCCCCACCCACGTGACCCGCGCGGGCCAATGGG
CTGGCGGGGCGCGGGGATCCGGCTGGAACCGTTGGGCCGCGTCCGGCTCTATATAAAA
CTTTATAAACACCCGATTCAAATTAAGTGGGTGCGCAGCCAGCGCAGCGAGCCGGCCGCC
AGCCCCGCGCGCCGCCCGCTCTCCCCCTCGGCCCTCCCCGCTTCTCGCCGCCACCGA
>EP31009 (+) Hs HMG-17; range -499 to 100.

GGAAGTGCAGCTGTGCTCCAGCCGCGCTTCTCTGCTTCCAGAGGAGCAGGGCAG
TGCAGCCAGGCTCGCAAACCCCTCTTCTGGGGCCCCAGCGGGAGCAGGAAGGAAAGCC
GCTGAGATGCGCGGTGAGTGTGCGACGGCTTGGAAGAAGTGGGTGCTGGGTGCTAAGG
TGGAAGGAAGTGTAGTTTGAAAAGACAGCTCTTGCGGGAGCCGGAACCCGAGCCC
GCCGACTGCGCACCCCTCTCATTTACTGCTTCGACGCGCGCCACCCGACTGCGCCC
CCACCCCTCGGCGCGCCGCTTCCGCGCACTACCCCCCACCACACCCCTCTCTCA
CTCCCTCCAGAGGAGGTGAGTTTAAACCCCGCCACGTGACCCAGCTGGGCCAATGAAC
GGCGGCGGGAGGTGAAATCCGGTTCTAACCGGTCCGGGGCTCCAGCGCTATAAAAATT
TATAAACCCCCCGAGCCCGAGCAGTGTGAAGAAGAGGCGAGAACGACCCCGGACCGAC
CAAAGCCGCGCGCGCTGCATCCCGCTCCAGCACCTACGTCCCGCTGCCGTGCGCGCC
>EP33021 (-) Rn TP1; range -499 to 100.

CAACAAAGATCCCAAACACATGAAGCAAATAAACTTAACCCTGTCCCTGGTATCAAA
AATGTAATAAAGATTGGGACCGAAACTTCTATTTTTGACCAGCTCTCCTAGACTCAAGT
GCTTATGGAAAAACATTTGCTTCTGAGGATACTGTTGAGACTTACACATGCACACATAC
AAATATCTACACTCAGTGACTTTTAAGTTCTTACAAACAAATATACTTTAATTAATGAC
CACTGGTAAAGCACTTCACAGGCCTAGTACAGGAATGGGAGTTAGATGTTAATACCTGT
CTGAAAAGCGTCTTTAACCTAAATGGGGACCAGACCAGCACTGAAGGGACTGCTTCTCT
TATTTCTTGTACACCTAGGTGTATGTATGTATGTAGTGACGTACAAGAGAGCCCCA
CCCAGCTGCTAAGCCACGCCCTTTTCGGTCAATGGCTAAGGCCTTAAATACATGGAC
TACTGGCCCTGCCGGCCTTGCAAAGCCCTCATTTTGGCAGAAATTACAATGTCGACCAG
CCGCAAATAAAGACTCATGGCATGAGGAGAGGCAAGAACCAGCTCCTCACAAGGGCGT
>EP33022 (-) Ss TP1; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NNNG
TCTGAATCTCTATATCAAAAGACTCAAATTGAGGTAGATTGATCTGCATATTAGCAAGGC
CACCTTATTTACCTATATTACCAAAGGTAATAAAGGGTAGTGACGTACAATGAGCCC
TGCCGCTGCTAAGCCACGCCCTTGCACAGTCTCAATGGCTAAGGCCTTAAATACCCAG
ACTCCTGCCCCCTGGCCCTGCAAAGCCCTCATTTTGGCAGAAAGTACAATGTCGACCAG
CCGCAAGTTAAAGAGCCATGGCATGAGGAGGGGCAAGAACCAGCTCCTCACAAGGGAGT
>EP33023 (+) Hs TNP1; range -499 to 100.

CCTGCCCATTGTGTCAACAGTGCCAAGACTGAGAAATCCTGACCTAGATGAAAAAGAAGG
AATATTTCTATTTTGATCATATTGAATTGGGTCTGTAGAGTCAAGTCCTTACAGAAATA
AATTTATTATCTCTGGATGCTGTGAGAGACTTAAACAGTCATGCATACACACACTCAA
TGACTGTTACATTTCTACAGGCAAGGAGCATATCTGAATGGTCTCTTGTACTCATCC
AATGCCTGGCACAGGGCTGGGATTCAGTTTCTCAATAACACCTCTCTGGGAAAGCCTCAC

>EP33024 (+) Mm TP2; range -499 to 100.

>EP33025 (-) Ss TP2; range -499 to 100.

>EP33026 (-) Bt TP2; range -499 to 100.

>EP17043 (+) Sg protamine C II; range -499 to 100.

>EP07046 (-) Sg protamine TP14; range -499 to 100.

>EP28006 (+) Bt protamine P1^{1.1}; range -499 to 100.

GACCAGCTTGGCAGGAAGTGTGTCATGACTCCTCTACCTCCCCCCCCCTCCCCACTGCATGAT

GTGATGTGGTCAAATTTATATGCATTAATGACCTGGGGGGTCATTAATTAATGTGGAGGG
GCCCCACCCACACACATCACAGCCCCACCCCTGCACATCACAGCCCCGCCCTCCCTCA
CCAAGCACCTCCCACATGCCCATATATGGGCATGATTTGGGCAGCTCTGACCTGGTCTG
TGAGGTCTGGGTCTCTGTGACCTCACAATGACCAGGACCTGCCCGGTCTATATAAGAG
GCCGGAAGTCGGCCCTGTACAGCCCACAAATCCACCTGCTCACAGTTGGCTGGCT
CAACCAAGCGGTATCCCTGCTCTGAGCATCCAGGCCGAATCCACCCAGCACCATGGCC
>EP33030 (-) *Ss* protamine P1; range -499 to 100.

TTTAGGAAGTCCCTTCACCAAGTATTTCTCAGGAGGCTTTCCTATGGCATCCCCTGAGGT
CAAGACCCGCCTCCCCAACATACATCCTCATAAAATCCTGAAGGTTCTCTCCTCAGCAAT
TTTCATGATTATAATTACTCTGTGTGGTCATTTTCATTTCATGTCTCCTGGAGTTAGATTAT
AAAGTTGACTAGGCAGGAACATGTCTGCCTTGTTTATCACTGTATGCAGGGCTTGCCAGA
ATCTGGCAAACATAGGGGCTCAATAATAATTTGTAAACTATCCGAGTGAATGAGTGAGTG
TCCTTACAGAGGTCACCTCGTGCCCTCTGCGGATGCATCACGGCCCCGCCCTCCCTCAC
AAGGCCCTCCCACATGGCCATATGGACACCATGCAGGCCGACTCTGGCCCTGGTCTGT
GAGGCCCTAGGCCCTCTGCGACCTCACAATGACAGGGCCCTCCCGCGTCTATAAAGAGCC
CAGCAGTCAAGCCCTGGCACACAGCCTCAAAGTTCACCTGCTCAAGGTTGGCTGGCT
CAACCAAGCGGATCCCTGCTCTGAGCATCAAGACTGAGTCCATCCATCACCATGGCC
>EP33037 (-)Hs protamine P1; range -499 to 100.

CCAACACTACTCGGGAGGCTGCGGCCAGAGGTTTGCTTGAACCCAGGAGGCAGAGGTTGCAG
TGAGCCAAGATTGTGCTACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAATGAGACTCTGTCTCAA
AAAATAAACAAAATACATAAGTAATTAATAATAATAATAATAATACTTCTTAA
CAAGGGCATGTCTGTCTTGTATCACTATATACAGGGCCTAGGCCAAAATCCGGCATG
GAACAGGCCAAAATATTAACAGTAATATTTTGTTAATTGAATAACTAGATGATTGCTCCC
ACGGAGGAGTCATCTTGATCGCCCCAGCTGTGACATAGGCAGCCCCACACTCGGGGGC
CTGCCCGCTCTCAAATGCCATATATGGACATGATGCAGGCCACCTGGCCATGGTTTGT
GAGGTCACGAGCCCCCTTGCCCTCACAATGACCAACGGCCCCCTGGCATCTATAACAGGCC
CAGAGAGCTGCCCCCTGACTACAGAGCCACAGAGTTCCACCTGCTCAGAGTTGGCTGGCT
CAGCCAAGTGTTGCCCTGCTCTGAGCATTCAGGCCAAGCCCATCTCTGACCATGGCCAG
>EP59008 (-) Mm protamine P1; range -499 to 100.

TTATACCTGAAGCACTTGATGGGGCCTCAATGTTTTACTAGAGCCCACCCCCCTGCAACT
CTGAGACCCCTCTGGATTTGTCTGTCAAGTGCCTCACTGGGGCGTTGGATAATTTCTTAAAA
GGTCAAGTTCCTCAGCAGCATTCTCTGAGCAGTCTGAAGATGTGTGCTTTTCACAGTTC
AAATCCATGTGGCTGTTTCACCCACCTGCCTGGCCTTGGGTTATCTATCAGGACCTAGCC
TAGAAGCAGGTGTGTGGCACTTAACACCTAAGCTGAGTGACTAACTGAACACTCAAGTGG
ATGCCATCTTTGTCACTTCTTGACTGTGACACAAGCAACTCCTGATGCCAAAGCCCTGCC
CACCCCTCTCATGCCCCATATTTGGACATGGTACAGGTCCCTCACTGGCCATGGTCTGTGAG
GTCTGGTCTCTTTGACTTCATAATCTTAGGGGCCACTAGTACTATAGAGGAAGAAG
GGTGCTGGCTCCCAGGCCACAGCCCAAAATTCACCTGCTCACAGTTTGGCTGGCTCG
ACCCAGGTGGTGTCCCTGCTCTGAGCCAGCTCCCAGGCCAAGCCAGCACCATGGCCAGAT
>EP33029 (-) Mm protamine P2; range -499 to 100.

GGTAGGCAGACCTGGTTAGCCTAAGATCCAAGATAGGAAGTTAAGAAGTTAAGAAGCGCT
TATCTGTGCCTCAGTTTCCCCCATGGGAAGATATGTTACACTGTCCTTAATGCACATGGA
GTGGGTGGGAAGCTTTTGCTAGGAGTTGGTAGAGTGCTTCCTCGAATGCCAACCAAGGC
CATGCATGGGCTGCATCTCCAACACTGCATGTCCAGGGCATGGAAGCACACATATGTGAT
TCCAACCCCTGGGAGGTAAGAGGGACCAGGGTTAGAAGTTCAAGGTCATTCTTCATTGTGT
GAGGCCATCTCACATTCATAAGTCAGCATGCTTCAAAGCAAGATGAGTAACTTGGCCCC
TAAGCCAGTCCTGCAAACCTGTGCCGCCCTCACAGAGGGGACTGGGCAGGGTGGGAACA
ATCAATCAGGGGTGGGCCGACAGGTCACAGTGGGGTTTACCTTTATATAGCCCTCTG
AGAGCCCCAACACACGACCATCATCACCAAGAGCAGGTGGGCAGGCTTTTCGTCCCT
CCTCTCCAATCCAGGTGACGTGCAGCTCAATCCAGAACCTCCTGATCTCCTGGCACCA
>EP33038 (+) Hs PRM2; range -499 to 100.

GAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAATGAGTGAATGTATGGGAAATAAATGAA
TCAATGCTTGGCACATAGGAGCTATTAGGGAAGCTGTTTGCTGCTGTTGCCATCTTAACAG
TAAGCTGTGTGCACAGAGATCCAAGCACGGAAGTCCCTTCCACATGGTGGCTGTGGCACA
GCAGTGAGTTGGCAAGGAAAGCTTCAAATGACAATGTGCGCACCCACCGGCTTGGGGAGA
TGAGGGCTTGGATTAGGCAATAAAACACCTGCCATCTGTATGGTTACCTACTGCAAGAG
ACAGAGGACATGCTTTACAGGCAAGGCAAGGGGGTCTCTCGCCCTTCCAGCCCTGCAGCT
TGGGTGCCAGGGGCCCTGCTAGTTGTGACCCCTGGCCCTGTGCTGCCCTCACAGAGGAGGC
TGGGCAGGGTGGGGAGCTGGGCGGGGCCGAGAGTCATAGTGGGCGCCCCCTTTATATACA
AGCTCCCGGGGAGCCTTGACAGACAGACCAACAGTAAACACCAAGGGCAGGTGGGCAGGCC
TCCGCCCTCTCCCTACTCCAGGGCCCACTGCAGCTCAGCCGAGGCCACCAGATCT
>EP14029 (+) X1 TF-III α ; range -499 to 100.

NN
NNNNNNNNNNNNNAGATCTATTGAGAAAGGCCTTACTGTGTCTGTAATTAGATGCTG
TTAGTTATCGCACTCCTGTGTGGACCATTGCATCCATCACATTACAACAGTTACAGTTT

CTCCAACACCAGCAGCTGCTGCACACCGTTTCCTCGGCTTCATGTATTATCACGTGCTCC
ACTAGGACTCAACCACTAAGAACGAGGGGAGTGTCAGAAACACCCAACCTGTGAAATAA
CACATCGCTGACATAAAACACAGGAATTTAACATCCTTTTTTTTAAAGTTTGCGAGCGCAA
TTACTGAAGGCTAAAGCTGCAAGGGACACAGGAAAGGACTGATTGCCAATCCTTTCAGAC
ATCGCAAAACTTCCCGATGCATGTGCGATAATGGTTTGTCTAGAGCTATATAAACAGGC
ACACATGGCGGTACAGTGGCTTCTACAAGTTCAGAGGAAGCCGAGGGCTGTTTCAGGTGC
TGAAGGAGAGATGGGAGAGAAGGCGCTGCCGGTGGTGTATAAGCGGTACATCTGCTCTTT
>EP33039 (+) Mm Zfp-35; range -499 to 100.

AACAAGCCCTTTCTCCCAACTTGCTTTTTGGTCATGGTGTTCGTTTCGTTTCGGCC
ATAGAAATCATAACTAAGACAAGTGGGATGCGGGAGGATGGCAGGGAAGAAGGGAAAGGG
AGGGAGGAAAAAAGGAATAAACTTAGAAAGTTCATTTAGGAAAGGGATTAAGTTTGG
GAAAGAGAGGGTTCGGAAGAGAAACCGATAGAGAAAAGAAGCAGGTCACGAAGAGCTAATA
ACCGGCCCTAGAAAGTTTTTCAGAGAATGATGGGTTTTGACATCGAACACAGCAAAGT
ATAAGCTTTGAGTCAAGCGGGTCCCCTATGCTAAAGCTGGGAGTCGCTTTAGGGAATTC
CTGTTCTTAATTCACAGAGCGCTACTTGGGAGGGTGCACCATAGAGCTGTGATCCTCCC
ACATTCCTAGAGCGGCCAAGCAGGTCGCATTGCATCCAAACGGATGTTGAAGGAATTGT
GGGTGGCGGGCTTTGACCGGTAGTTTCTTCATCGTCGGAGAGTAAGGGAGGCTTCTTGGG
CATGGAGAGCAGGTGGGTTCTTGGCCTAGTGTCTGTGGACAGCAAGTTCGTGCTCCCTG
>EP36015 (+) Mm nucleolin; range -499 to 100.

GGCCGAGGCCGCTCATCAGCCCAGGGAAACCCTAGGCCTTCCGGCGTTCTTCAGCAGGA
CCACGCGCGCGGGGAAAGCACCGAGAAACGCCAGACCACCTGAGCATCGCGCCCAT
GCTGCCTCGGAACCTGAGGGAATCCGGGCCACGCCACCTACCCGCGCTCACACA
CAAGCCGCGCCAAACTCGCCCGTCCCACTGCGCAGGCGTGGGAGAGCCCGCGCTCAGG
AGCATTCAAAGGACCCGCACACTGACCAGTCAACGTCCGCTGGGCCCAAACGAGTCCCG
CCCTCAGGAGCAGAGCTCAGGCCCGCCCCTAAGAGCCCCGCCCTCGTCAAGCCTTAGGC
CCGCTCACGCTGCCCCGCGTTAAGGCTCGCGTTGGCTCCGGGGACGACGCGAGCTCT
GGTTGGTGGAGCCGAAGTCACGAGGACCCCTTCGTGCGCTTTCCAGAGGCGATTACTGG
GCAGGCTCAGTCTTTTGCTCAGACGCTAGCTGTAGCTGGCAGGCGGTTGTACGTGCTCC
AGAGTCGTGGTACCCGCTACTGCAGTCGCTTTCGTGTGGCTTCGCTGAGCTCTTCCGA
>EP36016 (-) Rn nucleolin; range -499 to 100.

TCTCCAGCTCTTCAGCGCGGCGAACGTTCTAGGCCCTGAGAAGTCCACGGGAGGCGCA
GGTTTCCGCTACGCAAGGGAAATCCCCGAGAAATGCCAGACCACCTAAGCACAGAGTCTC
CATGCGGCGTACGGATACCTGAGGGAATCCGGGCCATACCGCCACCTACTCGCGCTCAC
TCAAGCCGCGCCAAACTCGCGCGTTTCACTGCGCAGGCGTGTAGCGAGCGGGCGCTCAGG
AACTCAAAAGGACCAGCACACTGACCAATCAACGTCCGCTTGGCCAAAAGTCTCCG
CCCTCAAAAGCAGAGCTCAGGCCCTGCCCCTAAGAGCCCCGCCCTCCCCACGCTTTAGG
CCCGACCCACGCGTCTGGGTTAAGGCTCGCGGTTGGTTGGGGGACGGACGCGAGCTC
TGGTTGGTGGAGGTGAGGTACGAGAACACCTTCGTGCGCTTTCCAGAGGCGATTACTGG
GCAAGCTCAGTCTTTTGCTCAGACGCTAGCTGTAGCTGGCAGGCGGTTGTACGTGCTCC
AGAGTCTTCATTACCCGCGATCCAGTCGTCTTCGCGTGGGTTCCGCTAAGCTCTTCTGA
>EP36017 (-) Cgr nucleolin; range -499 to 100.

GGGGGAACGCGCGGCGAGCAGTTGAGGCCGCGCGGATCCAACGGGTTGGGGACGTTCCG
CAGCGCGGGGATGCTCGGGCCACCCACACCCCCCCCCCGGCCACGAGGCCCGG
AGTCCAGGTAGCAGTGCAGCACTAGGCGGCGTCCGGGCCACGCGGCCAATTCCCCCGA
GCCCTTCCACAAGCCGCGCCAAACGGGTCTGCACCGCGCAGGCGGCGAAGGCGAGCCGC
TAGGGCGATGCGAAGACGCGCACACCAGCCAGTCAACGTCCGCTTTCGTAGAGCTAGGC
CCGCCCCCAGGGGTGCCGTACGGCCCCGCCCGGGCAGCCCGCCCCACGCCGTAGCCC
CGCCCCACGCCGTCTGGGTTGAAGGCTCGCGTTGGCCAGGGGGACGGACGCGCGCTC
TGGTTGGTGGAGGAGGGTACGAGGACGCCGTGTCGCTTTCAGAGGCGATTACTGG
GCAGGCTCAGTCTTTTGCTCAGACGCTAGCTGTAGCTGGCAGTCGCTCGTACGTGCTCC
AGAGTCCACCGTGCCCGTGCCTGCGCCAGCTCGCGTGGGTTCCCCGAGGCTCTCCCGA
>EP36018 (-) Hs nucleolin; range -499 to 100.

AAAGGGCCAACGGGAACCTCCGCGTCCCTGAACCTCCGGTGCTGGCGGACTCCTCGTCC
AGGGCCACCAGAGCCGCGGCGTGAGTGCGTGCCGGGACCGAGCGGGGTCTCTGAGGA
ACTCCAAGGCTGCCAAGCCTACGGACCCAGCCACATTGGCGAACCAGGAGACCGCCGAT
TCCACACCCCCGCGCTCCCCTCACAGCCGGCGCCAAAACGCCAGTCCCACGACGAGG
CCGGGACCCGCGCGCCACGGCCCAATCAGCGCGGACCTTGACAAAGCGAGCCCCGCC
CCACGGCGCGCTTGCCAGCCCTCCCCCTCCCGTGGCCGCTCGGCCCGCTACTCCCCG
CCCCGCGCGGTTACAGGTTAGAGGCTCGCGATTGGCTCATGGGGACGGCCGCGAGCTTTG
GTTGGTGGCGCGGAGTACGAGGGCGCCGTGCTGCGCTTTCCACAGGCGATTACTGGGC
AGGCTCAGTCTTTCGCTCAGTCTCGAGCTCTCGTGGCCTTCGGGTGTACGTGCTCCGG
GATCTTCAGCACCCGCGGCCGCCATCGCCGTGCTTGGCTTCTTCTGGACTCATCTGCGC
>EP41008 (+) Hs snRNP E; range -499 to 100.

TGGGAGGCCGAGGCGGGCGGATCATGAGGTGAGGATCGAGACCATCTGGCCAACATG
GTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAACAAAAAATTAGTCGGACGTGGTGGCAGGCGCCTG

TAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCCCTGGAGGCTGAGGT
TGCACTGAGCTGAAATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGCGACAGAGCGAGACTTCGCC
TCAAAAAAAAAAAAAAGAAAGAAATTGGAGACAGGACGGCACTCCTCTACCACGGCCAC
TATAACAACCGAAGGCACCTCTCCCGCCTCCCTCCAGGTGGCGCTGTAGGACCGGCCAC
CTTCCACAGCGCAGACGCCTCAGTTTGGCCTCCCTCGGAGGCCATGCAGCGAAGAAACGT
GACTTCATGGCTAGAGGGGCAATTTCCAGGAGCGGCCATGCCGCCGCGTGACCTTCACA
CTTCCGCTTCCGGTTCTTTATTCCGGAAGTTGCTCTCAGAGGCAGCGTGCGGGTGTGCTC
TTTGTGAAATTCACCATGGCGTACCGTGCCAGGGTCAGAAAGTGCAGAAGGTTATGGT
>EP23003 (+) Xl rp L1a; range -499 to 100.

NNNGGACCTTACAAAGAGCCCGCGCTACA
GCCGTCACCTCACGTCACGTACAGCTCCGGAAGTATTATTTCGGCTGACTACGTTTTCTTT
TTTAAATTAATAAATTGGAACAAAATAACCCGCAATAATTGAATATTACTTATATATAT
CATATGGACTAGAATTTATGTCGTTTTTGTCTTTCTTTCTTTTCTTTCTCCCTCC
TACGTCATCTCTATTTCCGGCAATTCGTTCTGAGGAATCGCTCCGCGACACAAATAGTCC
CTATCGAAACCTATAGATTTTCGTAGCGAATTATAGGCACTGGTGAGATATAGAGAAACCG
AGATCGTTGGAGGTTGGTTTAGAAACCGAGTAGCTAGTCTGTTAGAATTTTTCGGGAGTT
ACTCCCACTTTGAAGCACTTTTCAAGGCAGTAGGCGTAGGCTTATAGCTGAGGAACGCG
GCTCCTCCTCTTTCTTTCTCTGTCGCGCTGTGGAGAAGCAGCGAGGAGATGGCGGTCA
GCATGGTGAGCCAAATGAGATATATATTTTACTAGGTCTGTCAATACGCTATATGGGA
>EP41004 (+) Gg rp L5; range -499 to 100.

NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNAACCACGACAACGTTCCCTTGAAAAAGAAGTGAATA
AAGTCCTTAATATTTCTATGACAAATATTTTAAATACCAAAACCATTTGTTTTTACCCTG
TGGTAAGAACCCGTTGCTGCCAAGCGCCCGTGCCGGCACCTGCTGAGGAAGCCGGTAG
GGAACCGCGGGCGGCGCTCCGCTGCGCACAGCGGAGAGCGGCGAGGCGGTTCTTCCCGC
GCACGTCACATCACTGGCGCTCCGAGGAGCGCTCCCGCCCTCAGGCCCGCAGCGGCCGG
ACCCCGTCCCAGGCGGCGGCGCGGTGGGAGCGGTCTCCAGGCCGGCAGGGGGCGCGCGC
CGGGTTACAGGGGAAGGCCGTGCGGCGGCGCCCCGCTCGCCGGCAGGCTAGGACCTGCG
GCTGCGCAGTGGGAGCGGCCCTTTTCCCCCTGCAGTCGTTGCAGTCGTTGTGCGGAGCGG
GCCCCGGCCTAGGCCTAGACCGGACAGTACCTGGCACGATGGTCAGTACCGGCCCGTACG
>EP15025 (+) Xl rp L14; range -499 to 100.

ATGAAAGTACGGAGGGGTCGGGGCTGGCTGCACGTCACGCACTAGGGCCCCCCCCCT
CTAGTTACACTACTGCTTCAAGTCACTGACTAATCAGAGATAGATAGCTGAAAAGCAG
GGGGTAGTGTCTGGCTATTATGTTACACATCCAGTCACTCCAGCCTTTATACATTACAT
GTTTGGCTAACTAACTATATTAGAAACATTTTTTTATTTAGCACAGCCTATTTACCCAGTT
TTTATTTTCACTGAAGTGTCTTTTAAAAACCCAGCTTCAATGCCACAGTGCAACCA
CACATGTATTACTATTTATTACTATAAGCGTGGACTCGGTAAACAAAAACAACCTTCGCAT
TGTGCAACTGATTTATCTGCCCTTGCCACAACATTTTCACTCCTCCGCCACCACCGAGT
GTTCAAGCTAGAGCGGCCACCACAACTTCCGTTATCAGGTGTTCCCATAGCCTGTTT
GCCGCGCTGTCTTTTCTTTCTTCCCGAGAAGCCGCTGCTGCTACAGCCGCCATCAT
GGTGAGAAACCAGACTACTTTATAATCCGCTGCAATCCCGCTTTCTTCTCCAGCGCGTAC
>EP41005 (+) Gg rp L30; range -499 to 100.

CACAGGGCCTGATCCAGCCTCACCTTTAAAGTCTCCATGGATGGGGCATCAACCACGTCA
CTGGACAACCTATTCCAGTGCCCTACCACCCTCACTGTAAATATTTTTTTCTTATATCT
TCCTGGATTGGTGCTTAAAGTCTCCCGTCAGGCTACGAAGAGACAAAATCGCCCTGCGAA
ACACAGGGGTTTGCAAGGAGGGGAAAACAGGCAGAGATAACGCCCTCTTATTGAGCCGCC
ACACCTATAACTGACAGCCGCGCACTACAATCCCGCCCTGTTAATGGTGCCCGTGCGTA
GCAGCAGGAAGGTGTGGGGAAGCTCTCGCGAGAGGCGGTGCGGAGATGTCCTCGCGAGAG
GTGGAGCGGGGATAGGCGGTGCCCGGGCGCTCGCTCCTTTCTGGCGGCCCGGCCATC
TTGGTGGCGCGTGTCCGGTGAGTGGGGCTCGGCCGGGCGGCGGAGGAGCCGCTGTTCA
GCGCTAACCCGACCCCGCTCCTCTGTCTTCCAGGTACCGCCGACTTAACGCCAGGCA
GCGACAATGGTGGCCGCAAAGAAGACGGTGAGTGGGAGCGGGCGCGGTGTGGCTCACGT
>EP11075 (+) Mm rp L30; range -499 to 100.

CCTGTGCAAAGTAGGCTCCCAAGTACACGGTATAAAACCGCCGCAAAAGGGGTGTGTGTC
CTACGGAGCGGCAACAGGAAGATCAGCGCGGGTGGACAGAGATGCCTCCGCTCCTGGT
GAGCAGTCACGGGTAAACCGCGGCGCCGGGTCTTCCGGAGCACGCCAAGACAACGT
CAGGCGGAGACCAGCCAGGAGAGGCCAGGTGCTGCCGCTCGCCACGAGCCCTGGGC
CTCGTCGTACGTCCCATCGAGCTCCGGCTCTCCGCGGTGTAGCCCGCTGCAGCAGAAC
AAACGCCCAGAACCGAAGGCCGAGCCAGACGCCGAGCAGCCAGCCTGCGTTGTAAC
CCGGTCCCCATAGCAACCAACTACCGCAGACTACTCTCGCAAGCGCTGTTCTGCTTGTGA
CCCGGACCGGCTTCTTCCGCTTCCGGTCCCAATCTCTGTGGCCCTAGAAGAGCTT
TGCAATTGTGGGAGCTCCTTCTTCTCGCTCCCCGGCCATCTTGGCGGCTGGTGTGGTG
AGTGAGCTCTGCGGGGTAAACGATTAGGCGGCTCGGGGAGCTCCGCTAGCTGGTGTGGA
>EP11076 (+) Mm rp L32; range -499 to 100.

GGTACATACCATAAGTAGAGAAGATTTAAACATACAGAAGTCGCGAGGAGGCTCAGTAGC

ACTTCATAAGCAGGGGTTTGCACATCTGTATATTAGGAAGTTTTAGGACATTTGCTCAAC
CAACCGCCTAAGGATCTTCGAAGAGTCTCTGTTTTGCTACCTCCCAGCCTCAAGGAGGCA
CCCTCGGGAACCAACAATTTAAAAAGCTATTGGGCTTCCACTTAGGGCGGAAATAAATGC
CCACCTAGCAGGTCTTAGCTCAAAAAAACAACCAATTTCTTAAGTAGTCCCA
AGAGAAAAATAAATTTTAGTCTACTCTAAGATGTTAATGTCTACTACAGAACTAGTCC
ACTAGGGTTTTTTTTCAGTATCATTTCTCAGGCACATCTTAGTTTTCTTTAGAGGACCCAG
AGCCGGAAGTGCTTCCCTTTCTCTGCCAGGACCTAAGACTCCGTCCCATCATACCTTGC
GCGCCGCCGCCCTCTTCTTCTCTCGCGCTGCCTACGAGGTGGCTGCCATCTGTT
TTACGGTGAGTCTGTATCGGCGGCCATCCGCCGCCGCCGCTTCGACGGGACCCCGTCTC
>EP41006 (+) Gg rp L37a; range -499 to 100.

CCTAGGATGTGTGGAATGGGAGTTTGAAGTCTAGCAGAGAGAGATATAAATACTGTTGCCTG
GAGCCCCACTGAGCCCTCGTCTGTCCCACCATCACCCAGCACCACAGCAGAATGGAGC
CCCATTGGATTGCTCCCTCTATTTCCCTCTTATGCTGTCTTGCATGGAAGACCATCCAAG
TAACCTCTCCAGTATCCATGGAAGACCATCCCAAGTAACGGCTTGTGCTGCTGCACATC
GATTTTATCTGAATCGTGGTTGTAAAGAAATCCACTTAACGTGCTGTAGGCTGTGTATA
ATCCCGTTACACGGGACAGTTTAAACAAGAGTCGAGCTTCGCAGCAGCTTTCCACCCGG
GGGAGGGGGGGGAGAGCGCTGCCGATCATAGAGTCCGCACCCACGGGACAGACAAGC
CCACTGTGCGTCACATCCGCTCCCGCTCGCCAGCTTCGGCGCGACAGCTCATACTGCG
CCTGCGCACAGCAACTTCTCTCTCTCTCTAGCGGCGCCGGGAAGGAAGATGGTGAGC
GCAGCCACAGCGCCGCGGCTATCCGCTCCATCCGCCCAAAGGCACTAAGCAGAGGCT
>EP24040 (+) Hs rp S14; range -499 to 100.

AGTAAGTGATTACGGTGTGTTTTCCCGACTATGTTGCCTAGGCTGGCCTCGAACTACTT
GGACGAAGCGATCCTCAGCCTCTGAGTAAGTGGGACCACAGGCCGGCGCCACCCTAGCT
TTAATTAAGGCCGTTTTGTTGTTGTTATTTCCCTGCTCCACACAAGGGGCGCTGCCGCTC
CAAGGCTGCCAGGGCGGGAGTCAGGATGGCGGAAGTCTGTCTAGCCACGACCACCGCCAT
CATGGAATACAGGCCACCTACCCCGCGGGTGTAGCCGCTTCGTAAGTGTGCTTAGGCC
GACCCGCTCGCAGCGACAACAGCCCTCTACCTCTTTTCGCTCTCCCTTAAGTAATAAAC
CGTCTTTCTTATGACGAGTCTTAACTCTTTGGGAGGAATAATGCCGGCGTCTTCCGGA
ACCCGACCTCGCCCCGTGACCTCAGAGGTATACTTCCGGGACACGGAAGTGACCCCGCTC
GCTCCGCCCTTCCACTCTCTTTCCGGTGTGGAGTCTGGAGACGACGTGCAGGTAGG
AGGCCCGGGCGGACAATCGGGGGCATCTGCGGCGAGGGGACCTGTGGGGCTTGGGA
>EP37012 (+) Gg[rig] rp S15; range -499 to 100.

CCCAGCCCTGCACGAATACCCGAGCTGGAAACAGCCGTCACGGGAAGCGCTGC
ACCGGGGAGGAGCAGCAGCGCAAGATCCGTTTCTGGAAGCTGCCCGCTGCTACCTGCATG
AACAGAATGGGGGTGACGGGTGCCCGGAGCCGATCCGCCCGGCGCAGCAGAGGGCG
AGGTGACCCGGACCGTTGGGTCCCAGCGGGACCGCGGGGAAGGAACGGTTTACAGTGC
CACCCACTGGAATGTGTCAGAAAACCCGTTTGTGCTTCTGGATGGCCGCTCCCATCCTC
GGGCTCCGTCTGCTCCTCACCTCTGCCTGCCTTAAATTCCCCGAGGTTCCCGCCGCG
CCCCCGGATCCCCGCTACCTCCGTTTCTGCCGCGCGCGGCCCTTTAAGGGCAGTA
AGGGCGGAAGCGCTGCGCAGGGCGGGGATCGGTGCACTTCCGCCCGCGGCGCTCTCGCG
AGATCTGCCGCTTCCGGCGCCCTTTCCGCGCAGAGCAGCCAAGATGGTGGGTGCGGGT
CGGGGGGGCGGGGCTCTAATCGGGCTCCATCCGCCCGGGGCGGCCGCTCGGGGCTCC
>EP37013 (-) Rn[rig] rp S15; range -499 to 100.

TCCTGGACAGCCTGGTCTACAGAGTGAGTTCCAGGACAGCCAGGGCTACACAGAGAAACC
CGTCTGCGCCCCCTCCCAAAAAATGTATGTATAGATTTCTGTTGCTACTTCATAACCGTA
ATTTTGCTACTATTAGGAACCGTAAATATCTGTTATGGCGCTCCAAAGAGGTTGTGAC
CCACGATTGAGAATCGTGTGTTGAGACCTGTACATGAGACAGAAACACAAAGACAAAAG
AAGACAAGGAAAAACACACAGAAACGGGAGAAAGAGACACATCCGAAAGGACCGAGCG
AAGGAGAAATAGGGACTGAAAGACAGACACAAAAACCCAAAGGAGCCACACCCCTCCG
AGGTTAGCTGCGCTCGTCTGCTATGCCCTCCGGACAGCAGGGGGCAATAGCGAGTCTCCGA
GGGCGGAAGCTCCTGTGCGGCGGGAGGGCGGGGCTCCACAGCAGAGCTCGCGATAACTGCG
CAGCCGCTGACACCGCTTCTTTTCCAGCAGCCGCAAGATGGTGAGTATGTGTCTTCT
TCGCTCTCTGCGCCAGTGTATCCGTGCGCATCCTCCGGGGGCTTTTCGACAGGACTCGGG
>EP37014 (+) Hs[rig] rp S15; range -499 to 100.

TTTGTACTTTTTATTCTTTTATGTCCGTGTGTACACAAATTTTTGTATTTTTTTGTAGAG
AGGCAGTCTCACTGTGTTGTCTTACTAATTTATATACAAAATTTTATCTGTTAAAGCC
GGAATGGTTCTTTTCAGCGAGGCCCTGTCCCTGCTCCAGTATCTGTAATGAATTCTCGTG
TTCTTCCACAGTGGGACCTGAACCGCCAAACCGCACCTACGAGCAAACGGTAGGCGCTC
CATAAATACTTGTGTATGTGGGTGCCATCGTGTAGATGACGGAGCACGAACCCGAGGCTC
AGACAGGGGCGGCGACTTGTCCAAAGTCCCACTCCGTGGAGGAAGCGGCTCTGCAGACCT
CAGGCGGCGGCTGTCTAATCCCTGCAGCTGTGTTTGGCCTCCAGACGGCAGAGGGCG
CGTGTTCGCCCGGGGAAAGCGGAAGCGGTGTGCGCGCACGGCCGAGGGGGCGGGACAT
GCCGCGAGTCTCGGATAACTGCGCAGGCGCGGACCAAGCGATCTCTTCTGAGGATCCG
GCAAGATGGTGAGTGTGCGATTGGCGCTCTGCGGGGCTATCCGGCTCCATCCAA
>EP11077 (+) Mm rp S16; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NN
NN
TGGCGCGGCCGGGGTCGATTCTGTGCGGGCCGGCGGTGCTCCCGTCGATAAAAGGC
TCCGGGGCCCGCGGGCGACCCGAGCTACCCGAGGAGCGGGAGGCGTCTCTGCCAGCGGC
CCGACGCGCAGTCAGCACAGGTAGGTGGCACGCCCGTGCCGCCGTGCCGTGCCGCCCGGC

>EP07060 (-) Rn a'-actin skel-m.; range -499 to 100.
TGGGGCCCATGACCCCTCCACGTCATCTGACAAACAGGGCTCCCTCCCTGGGCTTTCGC
ATCAGGGTTTGGTAGTCTGAGTTAAGAACCCGTAGGTGGAGTGCAATTGTGACAAGTCAGC
AATCACGCTCAGGTGGGAGATCTGGGAGACCTTTGAAACAGGTAAACTTTGGGAAGTG
CAGATCAGTGATCGGCAAAACAGTGACCTTTGGTCCAGCCAGCCCTTCAGCAGCCTTGG
AGCCAGTTGGGAGGAGCGGACAGCTGGGATACTCTCCATATACGGCCCGGTCCGGTCTTA
GCTACCTGGGCCAGGGCCAGTTCTCTCCTTCTTTGGTCAAGTGCAGGAGACCCGGGCGGGG
ACCCAGGCTGAGAAGCAGCCGAAGGGACTCTAGTGCCCAACACCCAAATATGGCTTGGGA
AGGGCAACAACATTCTTCGGGGCGGTGTGGAGAGAGCTCCAGGACTATATAAAACCTG
AGCTAGGGACAGGCGGTACACAGGACGTGAAGCCTCACTTCCTACCCTCGGCACCCAGGG
CCAGAGTCAGAGCAGCAGGTAGGGTGGAGGTGGGGAGGGTGACCTGGAGACCCAGCAGAG
>EP25005 (+) Hs a'-actin skel-m.; range -499 to 100.
CCCTCTTCCCGTAGTCGCAAGTGGGAGTTTGGGGATCTGAGCAAAGAACCCGAAGAGGA
GTTGAAATATTGGAAGTCAGCAGTCAGGCACCTTCCCGAGCGCCAGGGCGCTCAGAGTG
GACATGGTTGGGAGGCGCTTTGGGACAGGTGCGGTTCCCGAGCGCAGGCGCACACATGC
ACCCACCGCGAAGCGGTCAGCCTCGCCCCACCCATCCCTCCGGCGGGCAACTGGGT
CGGGTCAGGAGGGGCAACCCGCTAGGGAGACACTCCATATACGGCCCGGGCGCGTTAC
CTGGGACCGGGCCAACCCGCTCTTTCTTTGGTCAACGCAGGGGACCCGGCGGGGGCCCA
GGCCGCGAACC GGCGAGGGAGGGGCTCTAGTGCCCAACACCCAAATATGGCTCGAGAA
GGGCAGCGACATTCTGCGGGGTGGCGGGAGGGAATGCCGCGGGCTATATAAAACCTG
AGCAGAGGGACAAGCGGCCACCGCAGCGGACAGCGCCAAGTGAAGCCTCGCTTCCCTCC
GCGGCGACCAGGGCCGAGCCGAGAGTAGCAGTTGTAGCTACCCGCGGAGGTAGGGCAGG
>EP17044 (+) Xl a'-1-actin cardiac; range -499 to 100.
TATTCCTCATGCTGACGCACATAATATTTTGTACATTCTGTGTTACAGCACTGAAGGC
AGGCAGCTATTTGTGCACTCAGTACTTTATGTATTTCTAAACCCAGTGCTGGAGAGGCCA
ATAGGCAGGATGCCCCCCCCCGGTTAGTCCCCTGCACAATTGTGCTGCACCTGTCTACT
CCATTTGCAGACCCCTGTGTCTGTGCAAACTATTTCTTTTATTGTGCTGTTTTTTTTGT
ACCCAGCATTACAGACATGCTTTTTTGGGAATCCCTATTTGGCCATCCCTAGTAGTGCTC
CCCCACCTCCATACTTTCCATACATGGGCTAAGGGGTCCAAAGACCTGCCCTCCCCC
TCACCTACTCCATTAATGGCTTCTTTGCTTTTCAATGGCCGAGAAGCTACCAAATAAGGG
CAGGCTGCCTGCCTTTCCCTGCGGAGCTCCCACTGACTCCTCAACTCCAGGCAGCGTATA
AATTGACAGCTCAGTCCCCAGGCAGCACCCAGCCAATTCAATCACAGCACCAGCTCTCT
GTGCTAACCAAGTGTGAGTACTCTGTGGGACATACAGGTTGGTTCTTTGCTGCTGGACGGAT
>EP23037 (+) Xl a'-2-actin cardiac; range -499 to 100.
NN
NN
CCAAGATTAAAAAGTCATTGCGGTTGCCTCTCTCTCTCTCCTCAGCTGTCCACAGGAA
TATGTCATTGTCACTCAACTTTTTTTTTTACCATCCACGCTCTGGGGGCTGGGTGATGC
TAGGGACTACAGTTGACAAAAACCTTGTATGGCTTGGCAGGGCCCTGAGACAAGACACT
CCCCCATGTAAGGAAGGAATCTGGGCTGGGTGGCAGGGGCTGGCCTTATCAAAGCCAAAT
ATGGCTAAGCAAATGAAGCCACCTCTTCTACTGAAAAGCATTCTTAACTAGGGAAGGGG
CCGAAGGCAAAAAAAAAAAGAGCAAAATGAAGGGGCTGGCAATGAATATATAAAGACCTTA
ACACACAGTCAAGAGTTGCAGCAGTAACAAATAGCACCGTCCTTCCGCTCAGCCAGTCAA
ACTTTACAAGACAAGCAACCATGTGTGATGATGATGAGACCACTGCTCTGGTCTGTGACA
>EP23038 (-) Xt a'-2-actin cardiac; range -499 to 100.
NN
NN
NN
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNGAATCAGGCTGGTGGCAGGGGCTGGTCTTATCAAAGCCAAATATG
GCAAGCAAATGAAGCCACCTCTTCTACAGAAAGCATTCTTAACTAGGGAAGGGACCTAA
GGCGTAAAAAACAATCAAATGAAAAGGGGCTGGCAATGAATATATAAAGTCTCAA
ACACACAGTCAAGAGCTGCAGCAGTAACATAACAACACCGTCCTTCCGCTCGGTCAAGTAA
ACTTTTCAAGACAAGCAACCATGTGTGACGATGAGGAGACCACCGCTCTGTCTGTGACA
>EP11078 (+) Gg a'-cardiac actin; range -499 to 100.
TCCATTGCTGCTACTAAAAGAGCCTCATGGGTCTGACTACACAGGTGATAGACTGGAT
TTTGGTTTTTGTGGAACAAAAACGAAAAGAGGGGGAATGGACACCCCGCGACGTCCC
CCACCACCTACGCCATGCCTCAGTGCCTCGGCTTCGACGCCCCGCGGTGAAGGGCCACCC
GGGCTGACATCTCGGGCCACGCACCGTGGCTTACACTTCTCGGAGGGACCATGGAGGG
CCACAGAAGAACTCCGAGCTCCCTCCACACGTCGCGGGGAGGCTCCCTATTTGGCC
ATGTGGCGGGCGGACCGCGTGTCTCGCACCTGCCTTAGATGGCCGGACAGCCGCGCCGC
GCCTTGCGCCATTATGGCCGCGTGTGCGCCGCTGGCGCCGAGCCGGCCAAATAAGGAG
AAGGTGGCTGCCCCGGCCCGCAACCGCCCGCCCGCCGGGGGCTATAAAGCGGCAGCT
TCGCGCCCCGCCGACCCAGGCGCTCTCGGTAACCTCCCGCCGTCCGTGCTGCTCCGG

NNNGGCCG
CGGCCCTCCACCTCCGTACCCCCCTTACCGGCCTCAGAACGGCCAAAACGCCCTCCCC
CGCCTCAAGAGCTTCCCAACCTCCCGGAGAGGCTCGGGACCGTTACCTGCGGC GGCCCC
GGGCGCGGTGGCTGCCGCGCCGCTTGGCGCGGCCGCTCGGCTCTGCCCGCAGTACAGCG
CAACGCAGCACAGCGCTGCCGCCCCGGGCGCCCCGCTCAGCCCGGCCGGAACCGC
GCGCGGGGGGCGCGCCAGTAACGGGAAGCGCTCGCCTCACTTCCGGGTACAGGCCACG
ACAGAAGAAGGAGGGCGCAGCGGAAGGAGAGAGAAGAAGGCGGGAGCGGAGGGAGAACG
ATAGCCAATGAAACGGCGAAGTGAGCAGCCGCTTCCGGTTCGGGGGATAGAAAAGAGGGA

GCGCGGGGTGGGGCCGAGCACTTGCGGGTGAGACAGCATTGCGGTGGAGTTGTCGTGCAG
GTGAGGGCTGAGGTGATGTTGGGCCTTCGCGTTGCTCCTCGTGTGTTTTGCTGCTCTTT
>EP16034 (+) Rn myosin H sk-m. em; range -499 to 100.
TTTTACAGTCAAACGCCCCGCCACAACCTTGGGGTGTGCTGAGTCTGTCTCATAATCCC
AAGGGGATTTGACAGGTCCAATCCATTTTATTCATTTTTCTCATCAGTGAGCTTTCTA
AGCAAATAGCACAATGGTGTGTCCTGTTCCCAAGTGGGAGCAGCTTCTCGTATGATT
TCAGGGTGGGATGGCCTGCAGGATGGAGACAGGCAGGGCCCCCTGAAGCAAAGACAAGCCC
ATTGCTCTAGGTGAAGAAGCAACAGCCCTGAGTCCAGAGCAAGGCATCTCAAATTCCTG
CTTTCTACAGTTGGAATAATGGTTTCGGACCCTGCTCATTCTATATATACTTTCCCTT
GGCAACGATGAAAAATACGTGTGGAGGGGGCCAGTTCTCAGCCTGTGGTGTGAGTCATT
TCTTTCCAAATTTAGAGAAAGATGAGCCCAGGGGGTGTAGTGGTAGCCTATAAAAGCCC
AGGGGGCGGCTCTCCTGTGCTTCACTCTGCCACAGTCAGAGGTAAGTAAACTCTCTTC
ATATCTCTTTGGCCTTTGCTGCTTCCCTGCCTGGTTGGTCACTGCCCTGGGCTGTGGCC
>EP07063 (-) Gg myosin LC1 P1; range -499 to 100.
ACTCTGGGGAGAGAGGCAACAAGGTTGGAATTGATGATCTTCCCAGCCATGAAAGTCA
AAATGCCTGCTTGAAACCAACCCCTCCTGGAGCACTACGCAGGCATGGGGCAGAACGGGA
GGGAAGGAAAGGAGATTTATTACTTCAGCGGAGTTGAAATTCAGATGAGAAAAAGAACC
GTTCAATCCATGCCCGAACGCTCAACAGCAGGTCTGAAAGCGGATTTGTACATTTCCCT
CTACTTTTCAAAAGTAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGCAGAGGAGG
TGGCTGGGGTTTTTAAAGAGGGGGGAAAAAAGGCTCTGAAGTCCCTTGATCTTCTGAAG
CCCTGAACCTTATATTCCATTTATAGCCCGAGCTGGAATGACACCCCTCGATTAGGG
ACTGTCCAATCCAGCTGCATGTGTGTCAGGATTGTACAAGGCACTAAGTGAATATATATAT
GCCCTTATAGAGTTAGCACACTGGGTCCACCGCCAGGGCACGGGCTGTAGCTCATTCCG
ACCACTGCTTCTCTCCAGGAATCGTTTTAGGGGGTCTTCAGGTTCTTTTTTGGGGG
>EP24037 (+) Rn myosin LC1_f P1; range -499 to 100.
CTACCACTGACCTCTTTGCTGACCAACATTTCTTGCAAATCATGGCCAAGGAGGGAGGG
GCATGAGCCGTGAAGAAGCTGGGTGAAAGTTGGTAATGGCCTCAGCCAAGATTCCAAGTT
GAAATTGAATCCGGTAAAGTTTCTAGGAAGGAAAAAAAAAAAAAGATTACAGCTTCA
ACAGAAGTGAATTTACCAAGAAAAAGGTACGTCTATCAGCTGTACCAAACCAACCAT
GGCTGGCTTTGTCGTGCTTCTTTTCTTTTATAGATAGAAGTGGAGGGGAAGAAGAAAGA
AAAAAAAAAAGAGAGAGAGAGAAGAAGAAGCAAGAGGCATTCAAAAACTTAAGGAAGCC
CTGACCTTTAGACTCCATTTATAGTCTGAGCCCGAATGCCACCCCTTGACAAAGTGAA
CCGTCCAATCCAGCCGCGTGTCTCAAGTTCTATTAGGCACTAAGAGAAATATATATGCA
TGCCCTTATACCACTTCAACAGCTTGGGTCCACCTCCAGACGCTGGGCTGCGGGTCAAGC
GAGCCACCACTGCTCTTCCAAGTGTCTTTTGACAGTTCTTCTGGAGGAGATCCTTCTT
>EP07065 (+) Rn myosin LC2_f; range -499 to 100.
CTTTGCCCATGAGCTGCACCTTCTGTCTGCATGTCTGCTCGCCAGCCCTCACCTAACTCA
CTTCCTTAGCTTTCTGCTGAGTTTGTCTTGTGCTTTGCTGCTGCTGCTTGTGCTAAA
GTGACCCACAAAACCAAGTATACTGTCTGTTGGCAATAAGTGCTTACTGAGGTTAGATCT
ATGCCTACCCCTCAGGAGCTCAAACATCCGGTTCATCTCTCCAGATCTATGGGCTTCC
ATGAGCCCTCTGAATTCTGGCACACTGCAGTCCCTTTTGGGAGAAAGAACATCCCTTC
CTACCTAGGTCTTAACAGACTTGATCCCAAGACCTCCTCCCCCTCCCTTCTGGACTC
CAGCTGCTGCAGGCCTCCAAGAAAGGAGAGGCCCTGAGCTGGGCTATTTTAGTATCTGG
GGTGGGTATCCACAGGGCTAAGGTTACCACGGTATGTTAAGGGGCAGGACTATATAACCC
CAGAAGAACTGCCCCAAGCAGATTCTCTGCCTTTTCCATCTGGAGCTACTGCCTTGCCC
TCAGAGGATCTAAGACATGGTGAGTGAAGACCCCCCAACACACACACACACACACAC
>EP07064 (+) Gg myosin LC3 P2; range -499 to 100.
ACACCATCCAAATAAGGGCTTGAGAAAAGCCAGCAAAGGGACAAGGAGTACTGGTGATT
CATGGGCTTTGAAACAAACCCAAAGCATGTATCCAGCTGCACCTCACACACAACCTTGCA
AGCCACGTGTAAAACAAGACAGCTGGGCAATACATGGCACCTTGTCCCTCAGCGCTCC
TCGATTGCTGACTTTATAGCTTATTGGAGAAATAGGAGCCTTTCTATCTTGGTAGGCCC
GAACAAGGAATATCCCCTCTTGATGGTCCAGACCCAGAAAGTGTGACATGATCCAACT
TGCTGCTTGCAACTCCCTGCCCTCTCCAACCTCTAAAAATAGCAGCCGTAAGGCGCCC
ATCAAGGCACGGTGCCTCCTGTCACTTTGCCCTAAGAAAGCTAAAGAACTACCAAGGGG
AGGGGCAGCTTCTTCTGACACCTAATCCAGGCAATGCCGTGAGCGCTGCCAGATAAATA
AGGGGAAGAAAGGCCAGGAAAGCAGGACCACTCTCAGAGACCTCTCAGCTAATCCCTCCG
GCCCGTCCGCCGCTCTACTTTTCCAACCTCTCAATCATGGTGGGTCCACTGCAGAGCTAAA
>EP24038 (+) Rn myosin LC3_f P2; range -499 to 100.
GTGGGTGTATCCTAACCAGTCCCCAGAGCACGCATTGCCCTTTCAAGACCTCAGAACTTT
ACCATAAGGGGGCCAGCTTTGGAGACTGTTCTTTCTACACCAGTTACTATTTCAAACCTC
AACCCAGTTCCATCCACGAAGCTCCATTAATACCCAGGCTTGCTGACTAGACACTTGCAA
GGTCTGTAATTACGCATCAGAAGCCAGTCGTAGATGAATCCACGTTTTCCACGAGCAAA
GCAATGTCTTAAGCACAGTTGCAGGGAACATCTCAGAGATGAAGACCATAAAAGTACCGA
CAGGCTTCAGTCTACCAAGGCTGTTTACGTCTGGACGCTGGATTCTTAAAAATAGCCCT
AGGGTACATGTCTCTTTCTTTTGGCCTAAGAAAGCTAAAGAACTCCTCCAGGAGGAG

TGGCAACTGCCCTGTGAAATCCGATACTAGATATGAGGTCAGTTTGGCCAGAAATAAAG
GAAGCCACCGAGAGGTAGGACTCCACTCAGGGACCCACTGGAGGTGTCTTCAGTTCATT
TCCAGTCCCGCTGCTGTTTTGCCCTCCAGAACTCCATCATGGTGGGTCCTACAAGACAAT
>EP11080 (-) Gg myosin AFW1; range -499 to 100.
AAGTAGAGTGAAGTAAAGAAAATTTCTAATTTTTCTTTGTAAAATTGTCTTTTCTC
ATACTTTAAGATATTCCTTAAATTCACAAGGCTGTATATAAAGATATTTGCATTATTC
CCTTTTTATTACTGATATAATTGCAGTACAGAAATGTCAAACAGTCTGACCTGACTCAA
GACCAAGCTGTTACCAGAATGGTGAACAACCTATAAATCTACATCCAAGTTCTTTAAG
TGTTTTGTCTTATCAAGATCCCTTATTAACAGCCCTGACAGACTATTTATAGTAAATAT
ATCCACAGGAATGGTAAGATATAAACATTTCTAAATATATCTTGTGAAATCAAATGAAA
ATTATGCCATTAGTCATGTTTGCCAGACAATGTTTGCCAAAGAAAGTTTGCCAAAATAT
ATTTTGACTGTAGGAAAAGGAAGCATCCAAAGCATCTGCATACCAGACTCTATAAAGTC
TCTATGGAGTGCTGTGCCAGTCTTGACAGAAAGCTTCAAGGTAAGCAGATGGCTCCTGT
GAATTTCTGGGCAAAACCTTTTATTCCATTTTACTTCTTAGGAGCCTTGGATACCTACTT
>EP11081 (+) Gg myosin EFW1; range -499 to 100.
CCTTAAACCTCATTTCTGTGACTTCTGTTCTATTAGATGCTCCCTCCTCTGTTGGGAT
TCCCTTTCTCTAACAACTGACCTGCATGCTCAAGCACTTGTGCTTTTCCACATCTC
AGGCTCAGAGCATTTTGAGAAAGGCAATAGTCTGCACCTTCATCTCTCCATCATGTTTTGT
TACAATATGCTGGCTCATTTACTTTCTCTGCTCAAGTTATCATCTGATTGATTAC
AGCGTCCATGCAGTCCCTTTCTCTTTAGTACATACTCCTGTACACTCCCTCCCTC
TTCTCACACACTCTGTCAAATTATTTATAGGAGATAGATTACAGACCCGTTATGTCTA
ATTATATCCATTCACTTCTAATGAATGGGAATTCTGCTAGGAGTTAAGAGTGCCAAAAT
GTTTTGACCTAAGAAACAGGAGGTGGCTGCTACGTATGCAAATCAGAGCCTATAAAGGA
CCTTAGGGTCAGTGTGCTTGTCTTCTTCAAGGAATCTTAAGGTAAGAGTGTGCGGGAC
TTTCAACTGGGGAGATGGGAGAGTGAAGGGAAAGTGGCCCTGCGTTCCACAAGCACCAGT
>EP25016 (+) Cco TM-a' (sk-m. a'); range -499 to 100.
GTGCGTGACGTAACCCATTGTTGCCCCGCTCCCTTCTGCTTTAAACAGATTCATTT
CACGAGTGGGGGCGNCCCTCCGGCACCGTCTGCTGCCAGCCACCCCGGCATCGCACAG
CCCTGAGCNGCCCGCACAGGTCTCTGTTCCCGTCCCGCTCCGAGTCTCTGCTCCCC
TCTTTATTTTCTCCAGAGTAGCAGCGAAATGCCCTTCTTGCCCGCTTAGAACTAAG
AACAAACCCCTCTCCCCGCCCTTACCTCGCCGTCACATCCCATATATAGGCATATCCAC
GGTCAAAAGGCGGGCGGAGCAATGGGAGAGCCGAGCCGCTGAAAAAGCCGAGGGGGA
GCGAAGGAAGGAAAGGGTAGGAGCAAAATGGAGGAGGAAAAAAGGAAAGGAAAGGAA
TTTCAAAAGGATTTGGATGCTGAGGAATGCAGTCAGCCCCCTGGGAAAGGCCATAT
CAGTGAGGCTCTCCCCGCCGCTCCCGCACTCCACCGGCTCCCGTCCCGCACTCGTCGG
CCCCAGCGCTCTCGGGGCGCGGCTCGGATTCTCTCGGGGCTCTCCCGCGCTTTCCC
>EP25017 (-) Rn TM-a' (sk-m. a'); range -499 to 100.
GGCTGTGACTGGCAGCCCCGGACCTTACAGTGAGCACCCAGGACCCGGAGGCCAAGTG
AGATGGTGCGCACACACACCTGCCCTGTTCCCGGATTCCCTGTGACTCCCGACAGACT
CTTCTGGGGACCTGACCGCCAGGCGACGGCTCTGGGAGGTGGCTAGAGACTCTCGCCA
GTACCGGGCTCTCTCCAGCGAGGTCCGGGAGCTCTTCCAGGCGTGCAAGTTTAGAAA
TTAAGGGGAGCCTCGCCCGCGCGGTCTCGGAGGCTCGGGTCCCCATATATAGTCATAT
CCACCGTCTGACTGGGAGCGGAGGCGGCGAGCAATGGCGTGAGGCCCGCGGGAGGAGCG
AGGAGGGGGCATGGGGCGGAGGAGGAGACTGGGAAAGGGGGAAGGAGGAACAAGCTTTT
CCAAAAAGTATTGGCTGACCTAAGGAATGCGGTGCCCCCTGGGAAAGTACATATCAGG
GAGCAGCAGGACGTCCGCGCTCGCACCTTCCGGCTCTGCCACCTACCGCGCTCGCGT
CTCCTCTGGCTCTCTCGTAAGGGCCCCCTCGCCACCGCCACCATGGNNNNNNNNNNNN
>EP25018 (+) Gg TM-b' (sk-m. b'); range -499 to 100.
CCATTGAGGACAGTTTTGCAGACAGAGGGGGTCACTGGCAGTCAGGCAAGTCACCAAG
CAGTGTCCCCAGGCGACAATAACAGCACAGGAATAAAGCAGGGTGTCCCAAGCCCCAG
CGGCACCGGAGTGTCCCCGTGGAAGTGCCACCAGGAGTCCCTCAGCACAGTGTCCCTC
AACCAGATCCCTCGCGCATCCCCAGCGCGGTGTACCGGTGTCCCCAGCACCGTGCCAC
CGCGGCACCCCCACCGCAGAGCCCCCTCGTGTCCCCAGCACAGTGCCACCGCGACGCCCT
CTCCCGGTGCCCTTCCGTGCCAGGTGCCGGGGCTGCCCGCGGGTGCCGACCCCCCGT
CCCTCTCGGTGCCGCGGACGGCGGAGAAGTCTGTCCCTAAAAGGTGCTGGCGGGCGCGG
GGGAGGTCCCGGGGCGGCCCTCCCTCCCGGCGCGGCCCTCCCGGCTCTTAGGCGGC
GCTGCGGGGCGGGGGCGCAGTGCCGGTGGTGCCGCGCCCCCGGTGCTCCGCTCCCCAC
CGCTGCCTCTCGCGGCCACCGCGCGCGCGCCACCGCCACCATGGAGGCCATCAA
>EP25019 (-) Rn TM-b' (sk-m. b'); range -499 to 100.
AAACTGAGGCACTCGAGGCGTGACAGGAGATCCGCCTCCCAAGAGACATTTAATCTGGGG
GATTTACAGGAACTTCTAAATTAAGGGTAGCGGTGCTGCTAGCTGAGGGAGGGCACGC
GGTCTCTGTGCCAGGCAGTGCCTGAGCTACGCCCTGAAATAGCCCCGGGGGCCCA
GCCGACGTGCCGCTGGGCCCGCTGTCACTCAGAGGAAGCGCTGAGCCCCGGGCCAAG
GGTCTGTAGCTCTGTGACCAAGTTTTTACAGCCCGCAGTGAGCCAGTTTGTCTCC
GACGGCTGGCTGGGGAAGAAGGAGGCGGGGCGGGATCCGAGGGGGCGGACCCGAGGGGT

[illegible]

[illegible]

ATGCTTGAAGGAAGATCTTGTGTGATAAAATAATTACCACATGAACCAATCTTGCATGCA
CAGCAATTTTGAGAGCCCATCCTGGGAGCTAGGTGTGTAGTGTATCGTATTGTTGAGG
CTCGTAAAAATCTTGATGGCTGCAGGCAAGCCAAACCTTGACAGGCACTGCATCTCCG
CTGACTCTAGAAGACCAAGCCCAATTTCTTCCCTGTATATAAGGGGAAGTCTCTATGCTT
GGGGTAGAGGAGTGTTTAGCTCCTTCCCTTACTCTACCTTGCTCTACTTTTCTCTAAGT
CAACATGAGTCGACAGTTTAGTTCCAGGTCTGGGTACCGAAGTGGAGGGGGCTTCAGCTC
>EP24002 (+) Hs keratin I 50K; range -499 to 100.

ACCTCCTTGCTCTAATAGAGGGTCATGGTGAGGGAGGCGCTGTCTGTGCCCAAGGTGACC
TTGCCATGCCGGTGCTTTCCAGCCGGGTATCCATCCCTGCAGCAGCAGGCTTCCTCTAC
GTGGATGTTAAAGGCCCATTCAGTTTATGAGAGCTAGCAGGAAACTAGGTTTAAAGGTGC
AGAGGCCCTGCTCTGTGCACCCTGGCTAAGCCCACTGCGTGGGTTCTGAGGGCTGGGA
CTCCAGGGTCCGATGGGAAAGTGAGCCTGCAGGCCACACCTCCCCCTGTGAATCACG
CCTGGCGGGACAAGAAAGCCCAAACACTCCAAACAATGAGTTTCCAGTAAATATGACA
GACATGATGAGGCGGATGAGAGAGGGACCTGCCTGGGAGATTGGCGCTAGCCTGTGGGTG
ATGAAAGCCAAGGGGAATGAAAGTGCCAGACCCGCCCTACCCATGAGTATAAAGCAC
TCGATCCCTTTGCAATTTACCCGAGCACCCTCTCTTCACTCAGCCTTCTGCTCGCTCGC
TCACCTCCCTCCTCTGCACCATGACTACNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP17047 (+)Oa HGT keratin F; range -499 to 100.

ACAGTTCACCAGGTACAAAAGAGTGGGACGCAACTGAGGACGCAACTGAGCACGCGCACA
CACACACACACACACACACACACACACAGTATGTATATGTTATTTCAATTTTTT
CCAACACATATTTATTGAATTC AAGTGTGTGCTGTGGAAATTCAGTGCACAAGATGACT
GGATAACAGTTAAACAACCTCAGAATTTTCGTAGTACTGTAAAGCCTGCTTCCAGAGGCTT
GTA CTTAGGACTTTATAAGACCCAGGGCTTTGAAGACTCTGCAAAGCGGTATTTTAATGA
AGGGACACAATTTTACAGGAAGGACTCCAGCCCCCTGTTATTCTATCATGAGAGCTTCT
GAAGCAACTGTAAAGACATCTTAAGCAAGCAACACAAACTAATTAGCAATGGTGT CATGA
ATGAAAAATGACGCCCTTGTTTTTCGCCACGGTCCCCTAGCCCCGGGTATATAAAGAAGGG
AGCATAGGGAATCCATACATACTAGGAAATTCATCCCTGCTCTCCAAGCGCCCAACCC
AGACACCATGAGCTACTGCTTCTCCAGACCCGTCTTCCCAGGTTGCTACTGGGGTAGCTA
>EP17048 (+) 0a HGT keratin C2; range -499 to 100.

[illegible]

CACCGACGAGGCTGGGCGGGCCCCGGGAGCTGCGGGGAGCGCGCTGAGCCCTGAGCACA
GGACGGGAGGCTGAGGGGGGCCGTGGAAGCAGCTAACCCAAACCCACCGACGGTTAC
GTTTCTATCTGTTTGCTTTGGACGTTTCGTAGCCCTTCGTGAATAGCATCACTCCCCGA
TCTCGGTGCCTTTCAGAGAGCTAAGAAAGAAGGGACGGGGCTCGCACAAAGTTCAACGCA
TGCATTTTTAAGACTCGCCCCGTTCTAGGAGCGCTGGCGGAGCACCGCAGCCCGTCCCG
CCCTCGGAATCACTGCGTGTGCAAGGGGCGTAGGGCGCCAAGGCACCTCGGCAGCCGCC
CCGGGTCCCTCCGCTTTGTCCCAGCGCCGCCACCGCGGCCCTCCCTCCGCCCTCCC
CGGGCCGACGCGGCCATTGGCGACGAGACGGGGCGGGGCGGCGCGGGCGCGGGGCG
GCGGCGCCCCATAAGAGGGGCCCCGGGTGGGGACGCCGCTCTTCTTCGCCCGCCGCGCT
CCGAGCCCGCTCTCGTCCCGATTACAAAGCCGCTCCGTTCTCGCCCATGAGCTTC
>EP25003 (-)Ma vimentin: range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NN
NNAGCC
CCTCTTCTCCTCCCCCTCCCGCCTTCTCACTTCTCTCTGGGTGCCCATTTGTTGGCGCG
CCCCGCGGCTAGGATGGCAGTGGAAGGGACCTCTTTCCTAACAGTGTTATAAAAGCTG
CGCCCTTGGCGGGTCCGGTCTCTGCCACTCTTGCTCCGGGACTCCAGAGACAACAGCA
CTCCCGCGGTTTCGCATCCACCGCCCTTGCTCTCTTTCGGAGCCAGTCTTGTAAAGCT
>EP24039 (+)Hs vimentin: range -499 to 100.

GCGCCCCACCCGCGTTCCAATCTCAGGCGCTCTTTGTTTCTTTCTCCGCACTTCAGA
TCTGAGGGATTCTTACTCTTTCTCTTCCGCTCTTTGCCGCGGGTCTCCCGCGCTG
ACCGCAGCCCCGAGACCGCCGCGCACCTCTCCACGCCCTTTGGCGTGGTGCACCGG

ACCCCTCTGGTTTCAGTCCCAGGCGGACCCCCCTCACCGCGGACCCCGCCTTTTTTCAG
CACCCAGGGTGAGCCAGCTCAGACTATCATCCGAAAGCCCCAAAAGTCCCAGCCCA
GCGCTGAAGTAACGGGACCATGCCAGTCCCAGGCCCGGAGCAGGAAGGCTCGAGGGCG
CCCCACCCACCCGCCACCCTCCCGCTTCTCGTAGGTCCCTATTGGCTGGCGCGCT
CCGCGGCTGGGATGGCAGTGGGAGGGGACCCTCTTCTAACGGGGTTATAAAAACAGCG
CCCTCGGCGGGGTCCAGTCTCTGCCACTCTCGTCCGAGGTCCCCGCGCCAGAGACGCA
GCCGCGCTCCCACACCCACACCCACCGCGCCCTCGTTCGCCTCTTCTCCGGGAGCCAGT
>EP26034 (-) Ma desmin; range -499 to 100.

TCTGCCTAATTCTGTGTCCCCCTACCCTACAGGTCTGTCTAGAGACCTCTTTGATGAGCTA
GTAGACTCCTGTCTGGTCTTTACCTCCAGTGGTTGGAGACCTCAGCCTCTTCTAGCAACC
TTTGCAAGTAAAATACTTGGGAGTTTCCTTCTTGTTCATTCTAATGACCTAAAAATCTCT
CCTTGAAGAAGATAGCGGCCCTCAAATAATGAAAATCTCCAGCCTGCTTTCCCAGGATA
AGGCAGGATTCCAAATGTAAGAGAGGCCGGTCTGGGGTCTCCTGTCAGCTAGCTGCCATC
CAGCAGGCCTGCTTGTCTTCTGTTCTTGTGGGGCAGCATGGGGCACAGGCCTCTTGCAAGG
GGAGCTGGCCTCCCCGCCCTCGCTAGCGGCCGCCCTTTCCTGGCAGGACAGAGGGATC
CTGCAGCTGTGAGGGGAGGGGCTGCGGTGGGGGTGATGTCAGGAGGGCTACAAATAGTG
CCGACGGCAAAGGGAGTGTCTCCCTCTTCGTATCCACTCTCCAGCNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP33011 (+) Hs DES; range -499 to 100.

AGAGACCCCCACCCTCAAGCCTGGTCTTGTCTTGCCTGAGACCCAAACCTCTTCGACTTC
AAGAGAATATTTAGGAACAAGGTGGTTTAGGGCCTTCTGGAACAGGCCTTGACCCTT
TAAGAAATGACCCAAAGTCTCTCTTGACCAAAAAGGGGACCCTCAAATAAGGGAAGC
CTCTCTTCTGCTGTCTCCCTGACCCCACTCCCCCACCCAGGACGAGGAGATAACCA
GGGCTGAAAGAGGCCCGCCTGGGGGCTGCAGACATGCTTGCTGCCTGCCCTGGCGAAGGA
TTGGCAGGCTTGCCCGTCACAGGACCCCCGCTGGCTGACTCAGGGGCGCAGGCCTCTTGC
GGGGGAGCTGGCCTCCCCGCCCCACGGCCACGGGCCGCCCTTTCCTGGCAGGACAGCGG
GATCTTGAGCTGTGAGGGGAGGGGAGGCGGGGGCTGATGTGAGGAGGGATACAAATAGT
GCCGACGGCTGGGGGCCCTGTCTCCCTCGCCGCATCCACTCTCCGGCCGGCCGCTGCC
CGCCGCTCTCCGTGCGCCGCCAGCCTCGCCCGCGCCGTCAACATGAGCCAGGCCTAC
>EP14032 (+) Mm IF GFAP; range -499 to 100.

ACATACATGTGTTGAGACCAGAGGTCAACCTCAGGCACTGTTGCCTTGGTTTTCTGAGAG
AGCATTTCTCTGATCTGGAATCGCCAATTAGTGAGAGCCAGGAAGTCTGCTGATTT
TCACTGCCAGCACTGGAGTTTACAAGTATGCACTGTCAACCCAGGCCTTTTGTATTCAT
TCTGCAGCTAGAACTTGGGTCTTTCATGCTTGACAGGCAAGCAATTTATGGACTAAG
CTGTTCCCTCGGCCCTCTCTTGACCCATTTACCAGAAAGGGGGTTCCTTGATCAATGGCG
AAGCCAGGCTGGTGTTCCCAAGAAAGCCTTGACTCTGGGTACAGTGACCTCAGTGGGGTG
AGAGGAGTTCTCCCCCTAGCTGGGCTGGGGCCAGCTCCACCCCTCAGGCTATTCAATG
GGGGTGCTTCCAGGAAGTCAGGGGCAGATTTAGTCCAACCCGTTCTCCATAAAGGCCCT
GACATCCCAGGAGCCAGCAGAGGCAGGGCAGGATGGAGCGGAGACGCATCACCTCTGCGC
GCCGCTCCTATGCTCCGAGACGGTGGTCAGGGGCTCGGTCTAGTCGACAACCTGGGTA
>EP26019 (+) Hs neurofilament L; range -499 to 100.

CTGCATACACATAACCTAGCCTATTTATTTGTATCTAAAATTCCTAGCCGCACCATCAC
CGTAAACACCAAGGGAAAAAATTAAGGAGGTTCTGGTGGGAAAAGGGCGAGTTGGGGGG
ACAGGGGTGTCTGCGAGGTGACGGGATACAGAAAATAGGGTGTCAAAGGGAGCAAGAAC
CTGTTTTGGGGGCAACTTAAGGATCCAAGTGTACGGGGTCTGGGCAATGCAGGACGGGA
GGGGTGCTGCTGAGTGAGTACAGAAGGGAATGAGTGAGGGGGCATGGGATCTCAGAGAAA
ATCAGGGCCCTCTGAGCAAAGTGAAAGGACGACCGCCGAGCTCCTCGGGCCGTAGCTC
GACCCCGCCTTCCCTTTTGCAGCAATCTCGCCTTGGTGCAGCAGCGCGCTGCCCCCA
CTGGCCGGCGTGCCGTGATCGATCGAGGCTGCGTCAGGAGCCTCCCGCGGTATAAATAG
GGGTGGCAGAAACGGCGCCGAGCCGACACAGCCATCCATCCTCCCCCTTCCCTCTCTCCC
CTGTCTCTCTCTCCGGGCTCCACCGCCGCCGCGGGCCGGGGAGCCACCGGCCGCCACC
>EP07067 (-) Mm a'1(I) collagen; range -499 to 100.

AGGCACATCTGCTTAGCTGATAGGTTCTAATCAGATTAATCTAACTTATTCCTTAGTTCT
TCCCCAGGATGCCTGAAAGATTACTAGGCATGGCCAGGAGGACCTTTTCCAATTATTCC
TGACACTGATCCCTTTGTAGTGTTCCTCAACTCAGATTCTCAGTTCTACATCCTTCTGAT
TTGAAGTCCCAGAAAGAAAGTACAAGGGGTATTCTCTACCCACACTCAGTATACTGAGGG
CCCAGCCACACTCCAGTGACAGCACCTCTGGCCCATGTAGATCTGGGGGGCAAGGGCGGC
AGAGTTGCGGGAGGGGGGGCGCTGGGTGGACTCCTTTCCCTTCCTTTCCCTCCTCCCCC
TCTTCGTTCCAAATTGGGGGCCGGGCCAGGCAGTTCTGATTGGCTGGGGGCCGGGCTGCT
GGCTCCCCCTCTCCGAGAGGCAGGGTTCCTCCAGCTCTCCATCAAGATGGTATAAAAGG
GGCCAGGCCAGTCTGTCGGAGCAGACGGGAGTTTCTCTCGGGACGGAGCAGGAGGCACG
CGGAGTGAGGCCACGCATGAGCCGAAGCTAACCCCCACCCAGCCGCAAAGAGTCTACA
>EP25034 (+) Hs a'1(I) collagen; range -499 to 100.

TGTTTTGGAGAGGTCTCAGCATGCCTCTTATGCCCTCCCTTAGCTCTTGCCAGGATA
TCAGAGGGTGACTGGGGCACAGCCAGGAGGACCCCTCCCAACACCCCAACCTTCCA

CCTTTGGAAGTCTCCCCACCCAGCTCCCCAGTTCCCCAGTTCCACTTCTTCTAGATTGGA
GGTCCCAGGAAGAGAGCAGAGGGGCACCCCTACCCACTGGTTAGCCACGCCATTCTGAG
GACCCAGCTGCACCCCTACCACAGCACCTCTGGCCCAGGCTGGGCTGGGGGGCTGGGGAG
GCAGAGCTGCGAAGAGGGGAGATGTGGGTGGACTCCCTTCCCTCCTCTCCCCCTCTCC
ATTCCAATCCCAAATTGGGGGCCGGGCCAGGCAGCTCTGATTGGCTGGGGCACGGGCGG
CCGGCTCCCCCTCTCCGAGGGGCAGGGTTCCTCCCTGCTCTCCATCAGGACAGTATAAAA
GGGGCCCCGGGCCAGTCTGTCGGAGCAGACGGGAGTTTCTCCTCGGGTTCGGAGCAGGAGGC
ACGCGGAGTGTGAGGCCACGCATGAGCGGACGCTAACCCCTCCCCAGCCACAAAGAGTC
>EP25040 (-) Mm a'1(III) collagen; range -499 to 100.

GAGTTCAGGGCCTTCAGAGGATTTTCCTTTATAGTCTCTTACAGTTTCCTGTTAAAATTG
AGTCAGGATGGACTCTGGCAAACTCAAAGTATCAGAGTCTTCTAGAAAGATAAAATTTA
CAAAATGACCATGCCGGAGAATGGGAGTCAAAACACTTTTTCAAATTCAGACAGTTTTTA
CTGTTTCAGAGGGAATTTAAAAACACACAAACAATTGTTGTAGGCTATCACAAAGCACA
TTCCTATGTGTTTCTGTATGCAAAATATGTATTTAAGACTAATGCATGTTATAAACATAT
GCATAGGCTGATGTACACATGCTCCAGATGTGCTGTTTCTGTGTCTGTGGGTTGTGTCCT
CTACACACAGGGAATAATATTAATCATTGCTTTTACTGCTGAGGGGATGGGTTCTGCT
CTCATATTTTCAGAAAGGGGCTGGAAAGTGAGGGAAGCCAACTTTTTCTATTTAAGGCC
AGAGCAGAGGGAAGCGAGCGCTGAGTTTTATGACGGGCCCGGTGCTGAAGGGCAGGGAC
AACTGATGGTGCTACTCTGAGCTGCTTCTCTCTCTCTTTTGCACAAAGAGTCTCA
>EP25041 (+) Hs a'1(III) collagen; range -499 to 100.

GAAGGGGCATACGGTGGCATTCTTTCCGTGAGTCTCTTACAGTCTCCTATTTAAATTGA
GTTAGGATTACTTCTGGCAAAATCCCAACATAAAATCTTCTAGGAAGATCAGTTCTGTA
AATTAGACATACTAGATAAATGGGCATCAAGCAGTTTTTCAAATTATGCAGTTGTTAAC
TTCATAAGGGGAAATAAAATGTATGCATTTACATTGTATGTATTTAAACAAGGCAGAGC
ATTTCTATACGTTCTTAAGTTATACAAACATATATGTAAGAGTGAAATATGTAAAAAAC
TTTTACATAAGCAGATGCATACAACTCCAGATGTGCTCTTTTTCTTACTGTGGGTTGTG
TCTTCTATAAGGAAAAAGAAATATTTATCATTTCTTTTACTGCTGAGGGGATGGGTGCG
GCTCTCATATTTTCAGAAAGGGGCTGGAAAGTGAGGGAAGCCAACTTTTTCTATTTAAG
GCCAAAGCAAAGGAATCTCAGTGGCTGAGTTTTATGACGGGCCCGGTGCTGAAGGGCAGG
GAACAACCTTGATGGTGCTACTTTGAAGTCTTTTCTTTTCTCTTTTGCACAAAGAGTC
>EP47003 (+) Gg a'2(VI) collagen; range -499 to 100.

AAGGAAGAAAGGAAGAAAGGAAGAAAGGAAGAAAGGAATAAATCAATAGAAACATGC
AGTACTCGGAGTTGGATCTCTGAGCAAACTTTGGCTATCTGCAAAGGCTACAGCATGA
GTTGCTCTTTTCTGAAATGTTTGTGTTTTATTTGTTCCACTCAGGACATGTTCTAGGAT
TGGAAGAGGAGGAGGAAGGGGGGAAAGAAAGAAAGAAAGAACACTATTTGATGGCATAAA
TACGTGGGGCAGCAATGCCAGCCACGAAACAGGGACTCTCATCATGAAAAATGAGCCTT
CCAGCTCGCTTTAAAGAATTCCTTCGGCTCCAAGCAAAGCGACCTCGCCACGCCAGCAC
CCACACGCGGAGGGGCGGAGGAGCCCCGGCGGTGTGCGCGGACCCACAGTGACTCTCTGC
GGTCCATTGCGGCTATTACACGCGAGGCGCTGCCCGGACGTTCCGAAGGAGGAGGAACG
TAGCGGGCGGTTTCTGACTGTGAGGAAAGAGAGGAGCTGGGCTGCAGGAGCCTCGGCTG
CTCCCGGCTGCTCTCCGGGATGCAGAAGCCTTCGTGATACGGCCGGTCCCGCGGAGTC
>EP47004 (+) Gg a'1(VI) collagen; range -499 to 100.

CAGCCCCCATGGGCAGGGTGC GGCTGGGGTCACTCTGTCTGTCTGTCTGTGTGTGGG
GGGTCTCATCTTGACTCTCTGGGAGAAAGGGCAGAAAGCCCTGAGAGCAGAGGAGGAAGC
CACTTCCCAGGCTGAACCTGGTGCCCGTGCCATGCCCTTGCCAGATGTGCCCTGCAGT
GGGTACCCTGCTTAGCAGGCAGCAGAGTGCAGCTCCTGCCTATCTAGGATGCAGCAGGCT
GCCTTCTCCAATCCCCGTTGGGCTCAGCTCAGGGCTCCGAGCCCCAGGGCGCAGCTGG
GGGACAGCAGAGTCTTTCGGCAGGAGCGCGGGTACAAGGAGCACAGAAAGACAGCGAG
GAGAAGCGCAGGCTGGCTTCTGAGTCAGCACGACAGCCCTGGTCCCACCTCCATCCCG
GCTGCGGAGTCTCTCTCTCCCTCTCCCCCGCCGCTCTTCTTCCCCGGGTCCCAA
GCGCTGAAACCACCCCCAGACCCGGACCCGGCCTCTCCCTCCTTCCCTTCGCTGCAG
CTCGATGTGAATCTGAGCCCAGCGACATGGGGCTGCACGACTCCTTCTGGCGCTGTCTGC
>EP30049 (+) Gg a'1(IX) col. car.; range -499 to 100.

ATGCCTATGTGCATTCTTGAAGGATCAAGTTAAGCAGTAAAAGTCTTTTAAATAA
TTGGTTTTATTAGAAGAAATCAACTAGGACACTACCAGCTAGGCTTCTCCAGAGACCTTC
TGATGGATAAATCAACAAGAAATGAAAATATCTTCTTTATAGGACTGATGTTCTTTTCTT
GTGAAAGTTTTTAGCTTTAACACCACAGTGAAGCCACAGTTTCTCAAATCCCTTGGT
ACATGTTATTATTCTTTTATCTGCCTCACTGAACAGCAGCCCTGCCATTTGGTGACTGG
CATCGCTTAACATATATTTTAATCTTTCTACCCTGATGCTGGCATAAGCAGCAGCCC
TTTCTTTACTCTCTTGGCTTCTTTATATTCAGCTGGCTCCAGAGATCCGCCCTCAGACCC
CACCAGGATACAGACGTCTGTCCAGCCCCACCTCCTTCCCTTTGCAAGATTAACCAAA
CCCAGCAGCTGCACCTCCCTCCCCGCTGAGTCTGCGTGGGGCAGGAGGAGCATTCTGC
ACCCATTCACTCTCTGTTAACAGGACTTATGACAGGGAACAGAGAGTGTGAATATATA
>EP30050 (+) Gg a'1(IX) col. cor.; range -499 to 100.

TGCGGCCCCAGAGAGAAGGTTGTGGTGAGTCCCAGCCGGGTAAGCCGCGTTCCAGCC

TGACAGTGTGAACTGGGCTGCCACTAAATCTATGAAGTTCACAGGAGCTTCATTTTTCC
CGGTCTATGTCCAGAGAAGTCTATTTACCATACCTGACTGAAATTTGGTGCCTTTAGCA
ATCCAGCCCCCTGGAGTAGCAGCCTCACTTAACTCTTCCATGCCTTCCTATCTTTTCT
TCTCAGCCAGTGTAGGGTCAGAGGCTTTTGAAAGCTATCCCTGACAGTGAAGAGAGATT
GCTGTCTCCTTGACAGCTCTGGGCAACCTGAGGGAGGGAAACCTTGCTGGGAGGTGAG
GGAGGGTGCCCAAAACAACAGCGAGCAGGGCAAAGGGTTAAAGGTACTGCTGTATTCAA
TCCTCTTCTCCAGCCTTCAGCTCTCCTCCAATCCCACGACCCTCTCCAGGCAGTTAA
TAAGGAACTGTGAGGGGTGCCTTGACAGTGAAGGTGAACTGGGCTGTAAGGCACATTTT
GGATTTCTGTGATTGTAGCACCTAGGTGGCTGCAAAATCTGTTCCCACTATGGCCTGGG
>EP07066 (+) Gg a'2(I) collagen; range -499 to 100.

TTTGCCAAAATTACACGGCGTGAACCAATGAGCACCTTTACATTCCCTTGGCATGGTATG
CAGCCCTTCCGGGGCCTCGCGGCTGGCCCTCCGTGTTCCCGCTCCCTTTCCACAGCTTG
CGCTCAGACTGAACCAATTTTCGGTCAGAAATTCCTGTAAAGCAGGCAATATAAACTTTT
CACATGAAAAAATCAAGCATGGAACCAATTTAGCGCCGCCGCCCTTCTCTTCCCT
AGTGTCCACGTCTCAAAGCATGGAACCAATTTAGCGCCGCCGCCCTTCTCTTCCCT
CCCTTCTCCTCCCTCGCCCCCCCCCTCGACCCCGCAGCCGAGCAGCGCCGGCTGGGG
CCGGTGGGCACGTGACAGCTGAGGACCGCGCGGGCCCGCGGTGCGCGCGCGCCATT
GGCTGCAGCGCGCCGGTGCCTCGCAGCCCGGGACCCTCCTGCGGTATAAATACGGCGG
AGCGGGGCTTGATTAATTTAGCATCCCGGGCAGCAGGTTTCTGCTAAGTTTGAGTTACT
CCTCGCAGCTGTATGCCTGCGTCTGACAGTAATAGCCAACCACGTCCGGGGCTCTGCA
>EP24026 (-) Mm a'2(I) collagen; range -499 to 100.

CTCGCCACGCTGTACCCCTCTCCCTCACACCCAGCCCCCTCCAGCCTGCAGATGGCC
CGCAGGGCACAGAGTGAAGCGGGACTGGACAGCTCTGCCTTTTCATCTTCGGCCTCCAG
GTCCCTCAACACCTGCCCCGCCCGCGGAGATCTGTAAAGAGCCACGTAGGTGTCTAA
AGTGCTTCCAACTTGGAAGGGCGAGAGAGGGCGGGTGGCTGGGGAGGGCGGAGGTATG
CAGACAGGGAGTCAGAGTTCCCCCTCGAAAGCCTCAAAAGTGTCCACGTCTCAAAAAGA
ATGGAACCAATTTAAGAAGCCCCGTAGCCACGTCCCTCCCCCTCGGCTCCCTCCCCTGC
TCCCCCGCAGTCTCTCCACAGCTGAGTCCCGGGCCCCCTAGCCCTAGCCCTCCATTGG
TGGAGACGTTTTTGGAGGCACCCTCCGGCTGGGGAACTTTTCCCATATAAATAAGGCAG
GTCTGGGCTTTATTATTTTAGCACACGGCAGCAGGAGGTTTCGACTAAGTTGGAGGGAA
CGGTCCACGATTGCATGCCTGCGCCGCCAGGTGATACCTCCGCTGGTGACCCAGGGGCT
>EP24025 (-) Hs a'2(I) collagen; range -499 to 100.

TATCGAGTCTTCCCTCCCTCTCTCTGCCCCCTCGCTCCCGCTGGAGCCCTCCACCCT
ACAAAGTGGCCTACAGGGCAGAGGTGAGGCGGGACTGGACAGCTCTGCTTTGATCGCCGG
AGATCTGCAAATTTGCCCCATGTCGGGGCTGCAGAGCACTCCGACGTGTCCCATAGTGTT
TCCAAACTTGGAAGGGCGGGGAGGGCGGGAGGATGCGGAGGGCGGAGGTATGCAGACA
ACGAGTCAGAGTTTCCCTTGAAAGCCTCAAAAGTGTCCACGTCTCAAAAAGATGGAA
CCAATTTAAGAAGCCAGCCCCGTGGCCACGTCCCTTCCCCCATTGCTCCCTCTCTGCG
CCCCCGCAGGCTCTCCACAGTGTGGCTGCCCCGGCCCCCAGCCCCAGCCCTCCATTGG
TGGAGGCCCTTTTGGAGGCACCCTAGGGCCAGGGAACTTTTGCCGTATAAATAGGGCAG
ATCCGGGCTTTATTATTTTAGCACACGGCAGCAGGAGGTTTCGGCTAAGTTGGAGGTAC
TGCCACGACTGCATGCCCGGCCGCCAGGTGATACCTCCGCCGGTGACCCAGGGGCTC
>EP47011 (+) Mm a'2(IX) collagen; range -499 to 100.

ATGGAATTGATGGTGGAGGGGAGAGAAGAGGCAGATGGGGAATTCCTCGAGGTGGCAGAT
TCAAGAAAGATGTTGGTGTGTTTTAATATGGCAGGGACCTGATTGTTTGTGGAGAGGACT
GAGCAATTTAGAAAAGATGGAGTTGGTGGAGTCTTGCCAGGTCTCCAGAACCTGAGAT
GGTTGAGGCTCTGGAGGATAAAGGACCCAGACAAGCTTGCCCGGGGAAAGGATGGGGCTG
AGGGCCAGGAGGAAGGCTTTGATCTTGAGGCAAGGAGGAAAGGGACTTCGAATGGACTT
CTGCTCTTACACAGAAAGTAGTCCCGTACCCCGAGATGCCCGGGACTTCCAGCTGG
GGCGTCTGGTCAAACCTCAGAATGCAGACCCAGGGTGGGCACAGAAGATCCGCCCTGACC
GGGCGGAGCTGGACAGTTCCTCCCCACAGTGCTCTCAGGTGACAGGCCTGCAGGTCCCCG
CCCCGGCCCGTCTAGCTGCGTTTTGCGGAGATCCAGTCCGAGGCTCCGAAAGCAGCCCCC
GCCATCGGTGCTTGACCCCCGCTCCAGAACCCTGTTTCGCCATGACCGCCGTGCCCGC
>EP17049 (-) Rn fibronectin; range -499 to 100.

ACAAAATACACCCCGTGAGCACAGACTTTTCTCAGAGGTGACGCAATGTTCTCAAACAC
CACCACGGTCACCAATTTAAAAAAGAGACGAGGGGGTAAACCTG
TCCCTTACCCCAAGGCTTCAGTCGGCTCCAGCCCCTCCCTCCCTTTCTCCGAGTCTACT
TCACTTTACAGCGGTTTCCATCCCTACCCCAATCCTCTCCCAAAAGTTTGACGACCG
CAAAGGAAACCAAGGGGGGGGGGAAGTTCTCCAGTCCAGACCTGGCGGGAGATCAGCA
TCTCTTTTGTTCGGGGCGAACCCACCGTACCCCGTACCGTACCCGGACTCCGGGCCAAT
CGGCGCGCGGTGCGCCGCGGTGCGGCGGCAGGAGGGCGGGGGGAGTCGGACGGGACCC
TCCTCCCCGCGCGCAGGGCTCGTGGGGGGCGGGAAGGGACTGTCCCATATAAGCCTC
TGCTCTTGGGGCTCAGCCGCTCGACCCGCTGCACTGCACAGGGGAAGAAAAGGAGCCCA
GGGTGTGAGCCGGGCCAGCGCCACAACCTCTGGTCTCTCCCGTGTCTCTCTCCATCT
>EP16038 (+) Hs fibronectin; range -499 to 100.

GTCGTGGATATTTTATGGGTTTTCTTCCTCACAAAATACACTCCTATAAGCAGAGATTCC
CCCCCTCCACCCGAAGAGAGGTGACGCAATGTCTCAAACACTACCACCACCCCCAATA
AAAAAGAAAAGGGAAGGGGGAGCGTCTTGCAACCCCTTCGCTTCACACAAGTCCAGCCAC
TCCCTTTCTCCAGCGCTTCCCATCCCTTCCCCATCCCCTAAAAAGTTTGATGACCG
CAAAGGAAACCGAAAAAAGTTGTCTTGCCCCAGTCTGGCGGGCCATCAGCATCTCTTT
TGTTTCGTGCGAACCCACAGTCCCCGTGACGTACCCGGAGCCCGGGCCAATCGGGCGC
GGTCGGCTGCGGCGGCCGGCGGGCGGGTGGGTGGGGCGGGCGGGGACAGCCCGG
CGGGTCTCTCTCCCCGCGCCCCGGGCTCCAGAGGGGCGGGAGGGCGTCCCATAAA
GCCCGGCTCCCGCGCTCCGACGCCCGCGCGGCTGTGCTGCACAGGGGGAGGAGAGGGAA
CCCCAGGCGCGAGCGNN
>EP60003 (-) Rn link; range -499 to 100.

ATAACTACAAGGTGACAACGTGTAGGGGAGTCAGTAGAGGCTACAAGTCATCCCGCAGA
CCCCTCACAGCATCTCCTGTGGAGTAGACAGAGAGAGAGGGTATGGTGTGGTGGGGG
TTGTGGTTGGGCTGCCGCTTTTCTGAACTCCAGAGCTGAATCCTCCGGATCTGAGCAG
AGCGAGTCATCTAAGAGACTGCTGTTTTACAAGGTCTGGGCACAGAGCTGCCCTCCCTT
CCCCCCTGAAGTTTGCATGGAGTGCAGTTAGGCTGTAATTAGAGGATCTGGGAGGAGAA
GTCTCCTGGTGACGCTTTTCTTTCTCTGCTCTTGGTGAGAAGTGCTCTTCATCCTC
GGATCAGGACCTCTGCCATCCAGACCACAAAGAGACATTCTGCACACACGCGCTCGAAC
ACACACGCGCACACCCACACCCACACCCACACCGCACTCGCCAGAGACAAACTTAAGGT
CAGGAGGAGCATTAGCTTCACTCCATCTCCAACCTCCAGCTAAGTGGGACTCGAAGCTTC
TGAAGTGAATTGAGGACAAGGTAAACTTCCATCATTTCTGTTTGGTGGGTCTTCTCTC
>EP60004 (+) Hs link; range -499 to 100.

AGGCTAATAAAACAAAGCGCAAACCTGACTGTCCTGAGGAGTCTGCTCACACCGCTGCCCC
GCAGATCATTCACAGACCCCTTGTCCTCCCTTCTGGACAGACCCAGGACTGATGAGG
GTTTCGGGTTTCGGGAGGTGTGGTGTGGTGGGGCTTGTGTGGCTGTAGCGCCGGCTTTCC
TAAACCCAGAGCGGGATACTCGGGATCTGAGCAGAGGGGAAAGTCATCTAAGAGGCTGC
TGCTTTACAAGGTCTGGGCACAGAGCTGCCCTCCCTTCTCCCTGAAGTTTGCATGAAG
TGCACATTAGGTGTAATTAGGGGATTTGGGAGGAGAACTTTCTGGTGACGCTTTGCTT
TTCTTCTGCTCTTGGTGAGAAAGTGCTCTTCTTCCAGGATCAGGACCTCTGCCATCC
AGCGCCACAAAGAGACATTCTGCACACACACTCACACACGCACACACACACACTCTCA
CACTCGCCAGAGACAACTTAAGGTGAGGAGAAAGAGCGCTAGCTTCACTTGATCTCCA
GCTTCCAACCTTAAGCAGAACTTGAGAGCATCCGAACCTCTGGATTTGAGGACAAGGTAAA
>EP17050 (+) Hs vWf; range -499 to 100.

GCCAAGACCTTCATCTTTAGCCGATCCATTCAACCCTGGCCAGGATCCAAATGGACTGTT
TTTGTGAGGGCCAGGACCGGATCCTTCATACCTGGGGTGATAGGAAGTGTTAGTACTCC
CCTTCTCCAAACACAGCAGCAAAATTGGCTCAGGTTGAGGTGTTTTTCTCAACTTCCT
GGAGTCCAGCCCTGGAAGCTGGATCAGGAAGCTGTGTTGTTCTACTGTGATTCCTCTGG
CCTGTATCAGCTTGCCCTGAAACAACCAGCATTCTGGTTATCCACACAGGTGGGGCAC
TCTAGGAAGACCAGGGATCAAGTGTGGGGGTGTAGGGATAGGGGTGTTTGGGAGGGCA
AGGCAGTTAATTAAGGCAGCTGCCAGGAGGTCTCCCTCCAACTCTACAAAGCTTTATCA
GCTTGGAGGTACTTCTAATACATTTCTTTCTATTGTTTCTTTTGGTAATTAAGGAG
GCCAATCCCCTGTTGTGGCAGCTCACAGCTATTGTGGTGGGAAAGGGAGGGTGGTTGGTG
GATGTACAGCTTGGGCTTTATCTCCCCAGCAGTGGGGACTCCACAGCCCTGGGCTAC
>EP64005 (+) Gg Tenascin; range -499 to 100.

AGCTGCTCTGCTCATCCCTGCGGAGCAGTGCCAGCCCCACTCGCTGCCCATCCGCCCCAG
CACACTCTGAGGGACTTTTTGGAACGGAAGCCCTGTGTTTGTGATCCCCCTGATTCCAGT
TTGCTGCTCTTTCGAGTGTTAAATAAAGGGGAAAGGGGTTTAAATTCCTGATAATGC
ACTCTGCTGATGCTGTAAGGAAAATATCTCTTTCTGAGTCATTTGCCCTGAGCTGACT
TTTTTTTTTTTTGTTTGAATGGTTCAGGGGTTTCTTCTTTAGCCATAAACTGCATGCAA
ATTCTTTGTGTGTGTGTATGACAGTGTGTCTGCGAGTGCCTGTGTGTTTCTCAGA
AGCTAAGCCAAAGAGAGAGGCTGTTCTTTAAAGCAAACTGAAAAAATAATGCCTTC
AGGCATCCTATTACAGTGGAATGAGCCAAGGATCAGGATTTGCAGCTCAGCTATATAAAC
CCGGCAGAATCTGGCTGATCTGACAGTGTGCCGCACTGTCAAACCTCCTTTCACACAC
GCGCGCACCAATGAGACGGCACAATTCTCTGAGTTTTGACAGGACGGCGAGGAATCCG
>EP11084 (+) Mm a'-crystallin; range -499 to 100.

NN
NN
NN
CCTACCTCTCCCCACCTGTGAAACAGGCTCTGAATCTTCTCTCAAAGGGACCAGGAGGA
TGCTCTAGTACAATGTGGGAAGAAACAGTGATGTCCCTTGGCTCAAAGGATTTGGCTCTC
CACAGACCTTCTTGAGACATCTGGTCTGAGAGCCTCTGCTGCTCAGCGTGTGTTGCTGG
GGCTGGGCAGGCGGGTGAAGTATCCAGCTGCTGACGGTGACGCTCTCCCCGAGCTGA
GCTATAGACATTTTGGGAAATCCCTTAATCTCTCCATTCTGTGCAGGCATATATAGGGAG
GGCTGGAACGCTAGCTCAACCACCGCAACTGCCAGAGGCTCCTCTCTGACTCACTGCCAG
CTTCGGTCCCTGCATCAACCAATAGAAGATGGACGTCACCATTCAGCATCCTTGGTTCA

https://epd.expasy.org/cgi-bin/epd/seq_download.pl

TAAGTCCCGGAACCTGACCTTTGCCCTCAAGCAGCATCCTTGCTGGCAGAAATCAATTA
>EP60009 (-) Rn g'C-crystallin; range -499 to 100.

CTCAACATAGCCTGGAAAAGCCAAGATCCAAATCTAGGTTTGTGTCCTGTACTGAACAAG
CAAACCTGTAAAGAAAAGCAGGGGGAAGAGGAATAAGATCGCCTGGTCTCTGTTGCACT
AGTCGCTGCAGTATTCGAAGAATTCCAGCATTCTCAATTCTGGGGATACTTCTACGAATG
CGCAGATTCTCCAGATTACCAAGTATAATGGAATCAAAATGTAGGGACGTGGACTTC
AGGTCAAAAGTTCAGGCTGATGTGCTGATAAATTTAAAAACGGTAAGAATCGGAATAAA
GCAACTCTGACCAGCTAGCTCATCCAGGGCAGCGTTGGAACACACTAGAGAACCAGGCGA
ATCTACAGTCACCGCCACTGAATGCAGCCCGTAAAAGCCATCCATGAAATTCCCTCAGCC
CGGAGGGCCCCCTTTTGTGCAGTTCCGCTAACACAGCAACAACCTCCTGCTATATAGACC
GGCCCCGCTCTGCTGGACACTGAACTCACCACGGGTGACCCAGCCATGGGGAAGGTGAG
CAGAACGCAAATAAACGAAAAGTCAGACTGAACCGCCTTGACCCAAGGAGCAAAAGATC
>EP60010 (-) Rn g'D-crystallin; range -499 to 100.

TCTTACGACTTTAATTCTAAAGAGGACTTGATCTCCAAAGGGCTTGAAATTTTACCATT
CAGTTGAGTCTATTTCTTTCTTATTAATTCATATTCAGAGTTGGGGCACCCACGAGTAGC
ATAACAGATCTTACAGACAACTTACACTTACATTAAGACGTTATCTCTCCCCACTTAAAC
ATTTATGTTTTGTCCACTATACAAAGAAGATGTGGTCTGTCTGTGAAATGGCTGAAAT
CCTGCTCCTATTATTAATAAACCAATGTGCCAAATTACTTTGTTTCAAACAATCTCAATA
GCATCAGCTGGTGATTGCAACCCGAATACTCCACAGTGAATAGAACCAAAACCCACAATG
AATCCCGTGGTCTATGACAGCAAAAGAGAAAAGAGGAGAACATGAACGTGCCCTGCCCCCC
GCGGGCCCCCTTTTGTGCTGTTCTGCCAACGCAGCAGACCTCCTGCTATATATATAGATC
CCGCCGCGCCAGCCCTACACACTCAACTGAAACCTCCCATCCGACCCGCAACAACAGC
CATGGGGAAGGTGAGCCCAGGGCACCCAGAACGTGGGGAGGGACTTACTCCTGGGTCCAG
>EP14034 (+) Rn g'E-crystallin; range -499 to 100.

CCTCTAATCCCCACCCCGCCAGCCTCTGTCTCCAGAGTACAGGACAAAGGAGAACCTT
ATTGGACTTCCATCATCTACGGAGAAAGTACATTCACTCCGGTGCCGCCACCACCCTT
TTTCAGGACTGTTAATTGGATTGCGTTATTAGTCATATACACATTGTTTTGAAACTGTCA
AAGGGCGGCTAAACATTTTATTACAGATGTTAACGAGTTAAACGTCTTTGCCCTATTTT
AGTTTTTCCCAAATCAGCTTCATTTAAAGGCTGAAGCGGCATCAAGTGACCTTTTAGCC
AGGTCAAGTATTCGTCATCCATTGAAAGCTCTGGAGAGTAAGAGAAAACATAACAATAAC
CCACACCTCCCCCAGTCATTTATATAGAAAGAGAGAGAAAAACGTGCCCTGTCCCCC
CGCGGGCCCCCTTTTGTGCTGTTCTGCCAACGCAGCAGACCTCCTGCTATATATATAGAC
CCTGCTCCAGCCCTACACAACCAACAGCACCATCCCATCCGACCTGCAACAACAGCCA
TGGGGAAGGTGAGGCCAGAGCATCTCAGTCAGGGAAGGGACCTGCCCTGGGTCCAGGCC
>EP11086 (+) Gg d'-crystallin; range -499 to 100.

ATCTGCACAGGAACTGGAGGCAAAATAGCTCCAGCTGTTTCATTCTTGCGTGTTGGTGG
CAATGAAGATGGAGTGTTGACAATCAACCCAACATCCCAAGTACATTCACACCAACGTAG
AGGGGGATGCCAAAGTGAAAAGACTCCTTCAGTACAAGGATAGTCCCGACAAGGAGGTG
ACCTGCCTGTGAAACCACACAGCAGACACTCTCCACCACAGGTGCTCTTCCACCAATAA
CTTTACAAACAAGCAACACGATGGCATCTCTATCAGCTCTCTTCTTACAGCCACCCTAC
CCACTGGGAAACCTCTCACTGACCTTTTCTAATTGAGCAGGGGCGGACACAGGACAGG
GGTGGGCAGCATGAGGGGGGCCAGAGGGAGAGGGGGCAGAGCTGGGCTGGACGAGGGGAC
ACCCCGCCCCAATGGGGCGTGACGAGCTGCCAGCCAGGCTCCGGGGCACGTAAAAGCGG
GGCTGTGAGACCGGAGAGCACGGAGCGACCCAGGGCTGAGCTGCGGAGACGGTGAGC
AGGGCTGTGCGGGCAGCTGGGGAGGCTCTGTGCTGCTGTGGGGCTGGGGCAGAGCTGAGC
>EP14035 (+) Rn a'-fibrinogen; range -499 to 100.

CACAGAACCAGGAAGCTGGACCTAGGATTGTTGGTGTGGCGCCATCGGTTACTGTCTT
GACCTTTGGGTAGAGGAAAATAATCTGTAAACATAAATGGCTTTTAGGTCAATTTGAAAT
TCAGATGAGCTCTGAATCTACACCTAGTCTAATGTCTAATGTCTCTGCTTCAAGAAGTG
ATAGCCAGAATCCTCTGTCTAGTCTCATCTTCTTCAAGTGTGAAAGTGTTTCATCTTTGT
AGCTTCAAAGGCCCCACTTCTGGAATGTAGAATCTCCCGCCCAAAATGCTGTCTACA
CAATCAAATGCTACCATTTGCAACAACCTTATCGGAAACAAACAAGCTACAGAGAATTGAG
CAAGAATTTCTGGGATGCCGTGGTTATTATGGTCAGAGCAAAGGACACACTGTGAGCTTT
GGCTATCTGAGTAGGACAAGGTGATGATTAACCTAGTTTCTGCAAGTTTAAAGTAGGAT
AGGAGCAGTGAGTGAAGTCAGTCCTCCTCCCTTCAGCTTCGGTGCTTCCCATGAGCCAT
CCCTGCAATCAGAACTATGCTTCCCTGAGGGTCGCTGCCTCATCCTGAGCTTGGCCA
>EP15029 (+) Hs b'-fibrinogen; range -499 to 100.

AAAAGATAAACACATTATGATATAACATTACTATTGATTTTAATGGCCCCCTTTTGAATA
GAATTATGTCATTGTGCAAAAACATAAGCATTTATGGTATATCATTAATGAGTCACGATT
TTAGTGGTTGCCTTGTGAGTAGGTCAAATTTACTAAGCTTAGATTTGTTTTCTCACATAT
TCTTTTCGGAGCTTGTGTAGTTCCACATTAATTTACCAGAAACAAGATACACATCTCTCT
TTGAGGAGTGCCCTAACTCCCATCATTTTGTCCAATTAATGAATTGAAGAAATTTAAT
GTTTCTAAACTAGACCAACAAAGAATAATAGTTGTATGACAAGTAAATAAGCTTTGCTGG
GAAGATGTTGCTTAAATGATAAAATGGTTCAGCCAACAAGTGAACCAAAATTAATATT
AACTAAGGAAAGGTAACCATTTCTGAAGTCATTCTAGCAGAGGACTCAGATATATATAG

[illegible]

420/812

GCAAAGGTTTATCTGGATTAGCCTCTGGCCTGCAGGAATGGCCATAAACCAAAGCTGAGG
GAAGAGGGAGAGTATAGTCAATGTAGATTATACTGATTGCTGATTGGGTATTATCAGCT
AGATAACAACATTTGGGTACAGGTGCCAGGTCAACATAACCTGGGCAAAACAGCTCTCATCTG
TGGCAGGACCATGTACCAAGCAGCCGCGTACCCAATCTAGGAAAGCAAGTAGCACATC
AATTTTAAATTTATTGTAAATGCCGTAGCTAGAAGTGTTTTACTGTGATACATTGAAACTT

CTGGTCAATCAGAAAAAGGTTTTTTATCAGAGATGCCAAGGTATTATTTGATTTTCTTTA
TTCGCCGTGAAGAGAATTTATGATTGCAAAAAGAGGAGTGTTCACATAAACTGATAAAAA
ACTTGAGAATTCAGCAGAAAAACGCCACGTGTTCTGAACATTCTTCCATAAAAGTCTCA
CCATGCCTGGCAGAGCCCTATTACCTTCGCTATGAGGGGGATCACTAGGCATTAGTGC
TCACCCCTGTAGGTAAGCTTACACATCCCGTCTTCATTCTTCTCCCTGGAATTCCTTG
>EP07090 (+) Gg apoVLDLII; range -499 to 100.

AAAAGGCTTGGCTATGGGGAAAAATGAACTGTGAGAGTACTGTATGTATACATATACCTG
TGTGCACCAGTTGGTTAATACATTTGTTGGAAACAGAGGGTGAAGTGTGAATGAGCATAA
TAGACACAAATAATTTGCAGCTGTCAAAGTGGTCGGCTTTCAACATGAGCCTTCCCACAG
GAACAGTGGGAGCAAAAATCAGTCCAGCTGTAGCTACAGTTAATGTGGAATTTGGTCAGT
TTATGAAAGGGGCTCTATGACATGGTTGCCTGAAAATGTAGGGGGCTCAGTGACCCAGG
AGCTGCCTTCCACGTCTCCTGTGCTCAGGTCAGACTGACCTTCCATTACCAAATCCGAAC
AACAGGTCCAGAGTCTACACAGCTTCTTGTCCATCCTGCTGAGCAGAATTTGCTTGCAA
AAGAGCAAATGGGGAAACAAAGCAGGACCTTTGACCCCTCACTATATTAGTTCTGCATAA
ATGCCAGTGTCTCAGATGAGCATCAACCTCAGCTTCAGCCTGGGAGAGAGAAAGCAGGAC
AGGTAAGAACTGCACCTCTGCTCTGGGTGGGATGGACCTTGGGACATTGACAAGTGAGT
>EP30018 (-) Rn apolipop. AI; range -499 to 100.

ATGTGACATCTGGAGAGATGAATCCCCAACTCGGGAGACCAGGGTGAAGCGAAAGGGGG
AACCTCTTGAAATGCAACGAACTTTGAGGCGGGGATGTGAGTTCAGGAGCCCAAATTC
CTCACTCTTCTACCCTGCTCCAGGTTCCAGGGCACTAGCAACACAGAGGAGCCAGGAGT
GGACTACATGAGACTAACTAAAAGAACACATATACCGCAGGATGGGGCACTGCCTTACC
CCCTGGGGACCTTGGAGTCTGCAGCTACTCCCGCTGCCCCACCTCAACCTTGATCC
CAGCTCTGCAGCCCCCGCAGCTTCTGTTTGCCCACTCTGTTTGCTAGCCTCGGGAACA
GAGCTGATCCTTGAAGTCTAAGTTCCACATCGCCAGCAAAAGTAAGCAGTGACAGGGCCA
GCCTGAGCTTATCAGTCTCCAGCCAGGCCCTGCCACACACATATATAGGTCAGGGAA
GAAGACCTGGACACCCAGACNN
NN
>EP30021 (+) Hs apolipop. AI; range -499 to 100.

TGGAGAGAGGCTGGAGGACCTGCTGGGGACTAAAGAAGAGCACTGGTGGGAGGACAGGG
CGGGGGAAGGGGGAGGGGAGTGAAGTAGTCTCCCTGGAATGCTGGTGGTGGGGGAGGCAG
TCTCCTTGGTGGAGGAGTCCAGCGTCCCTCCCTCCCTCCTCTGCCAACACAATGGAC
AATGGCAACTGCCACACACTCCCATGGAGGGGAAGGGGATGAGTGCAGGGAACCCCGAC
CCCACCCGGGAGACCTGCAAGCTGCAGACACTCCCTCCCGCCCCACTGAACCTTGA
CCCTGCCCCTGCAGCCCCGCGAGCTTGTGTTTGCCCACTCTATTTGCCAGCCCCAGGG
ACAGAGCTGATCCTTGAAGTCTTAAGTTCCACATTGCCAGGACAGTGAGCAGCAACAGG
GCCGGGGCTGGGCTTATCAGCCTCCAGCCAGACCCTGGCTGCAGACATAAATAGGCCC
TGCAAGAGCTGGCTGCTTAGAGACTGCGAGAAGGAGGTGCGTCTGCTGCCTGCCCCGGT
CACTCTGGCTCCCAAGCTCAAGGTTCCAGGCTTGGCCAGGCCGGGCTCTGGGTACCTG
>EP11088 (+) Hs apolipop. AII; range -499 to 100.

AACCCCCATAGCCCTCAACCTGTCCCTGATTTCAATTCCTTTCTCCTTTCTTCTGCTCC
CCAATATCTCTCTGCCAAGTTCAGTAAAGTGGGATAAGGTTGAGAGATGAGATCTACCC
ATAATGGAATAAAGACACCATGAGCTTTCCATGGTATGATGGGTTGATGGTATTCCATGG
GTTGATATGTGAGAGCTTTCAGAGAAATAACTTGAATCCTGCTTCTGTTGCACTCAA
GTCCAAGGACCTCAGATCTCAAAGAATGAACCTCAAATATACCTGAAGTGATACCCCTT
AGCCTCCACTAAGAGCTGTACCCCTGCCTCTACCCCATCACCATGAGTCTTCCATGTG
CTTGTCCTCTCTCCCCATTTCTCCAAGTTGTTTATCCTCACATAATCCCTGCCCCACT
GGGCCCATCCATAGTCCCTGTCACTGACAGGGGGTGGGTAAACAGACAGGTATATAGCC
CCTTCTCTCCAGCCAGGGCAGGCACAGACACCAAGGACAGAGACGCTGGCTAGGTAAAG
TAAGGAGGCAAGATGTGTGAGCAGCATCCAAGAGGCCCTGGGCTTCAGTTGTGGAGAGGG
>EP30020 (+) Rn apolipop. AIV; range -499 to 100.

NN
NN
ACCGTGTGAAAGGAGAACTTCAGAGGCTTCAGATACTAGACTGAGGTGACCCGGCTTG
ACCGCCATGAAACACAAAGCACATTTATGATTAAGTCTTCTGATCCTGGGTCTGCTCAAGG
GACTCCCCTAGCTCTCAGGCTGGTCTCTCTGAAGCTTCTGGCCATCCTTCCAGCTTCTT
GTACAGGGCGGAGCCAACTCAACAAGACAGCTCCCCAGGCTGCCTGTGTGCTGTACAGCA
TCCACGTTGTCTTGGGTCATTAAAGTCCAAGAGGCCCTCTGGGAGTGTGTACCTTCCA
ACGTGGAGTCACTAGGGAGGAGGCGGGAGAGAAGGCTGGAGGGGCTTTAAATGAGTG
GCTGGCCTTGCTGCGCTCAATCCTCACAGCGACACAGGTGAACCATTTCTTCTGACGCT
AGGAAACATCCAGTGTAGCTGAGGCTGTCCCAACCAAGTGAGGAGCCAGGATGTTCCCTG
>EP26028 (+) Hs apolipop. B; range -499 to 100.

TGAACCCCGCAGCCACAGATTCTGATCAGGATTAGGGTGTGGGTGCAAATCCAAGGTCCA
CCAAAATGGAAGAAGTAACCGATGGGAACAGTCTCCACCAAGACAGCGCTCAGGACT
GGTTCTCTCGTGGCTCCCAATTCAGTCCAGGAGAAGCAGAGATTTTGTCCCATGGTGG
GTCATCTGAAGAAGGCACCCCTGGTCAGGGCAGGCTTCTCAGACCTGAGGCGCTGGCCA

TGGCCCCACTGAGACACAGGAAGGGGCCGCGCCAGAGCACTGAAGACGCTTGGGGAAGGGA
ACCCACCTGGGACCCAGCCCCTGGTGGCTGCGGCTGCATCCCAGGTGGGCCCCCTCCCCG
AGGCTCTTCAAGGCTCAAAGAGAAGCCAGTGTAGAAAAGCAAACAGTCAAGGCCGGGAG
GCGCCCTTTGGACCTTTTGAATCCTGGCGCTCTTGACGCCTGGGCTTCTATAAATGGG
GTGCGGGCGCCGGCCGCGCATTCCACCGGGACCTGCGGGGTGAGTGCCCTTCTCGGTT
GCTGCCGCTGAGGAGCCCGCCAGCCAGCCAGGGCCGCGAGGGCCGAGGCCAGGCCGAGC
>EP17051 (+) Hs apolipop. CII; range -499 to 100.

CCAGGAATCAATGAGTAGAAGAGGTGACACCTGATGGGGAAGGAAGAGTAGGGAGGTCGG
GAAGGGTATCAAGGAATAACACCCTATTGTGGGCTTGCGGAGAATGGGGGACTTCAAGGC
GTGTCA GTTTCAGGAGGGTGAGGGCAGGAGCGTGGGTGGAGTCAGCAGGTCCCCATGATG
GCCCTCACTGAGAGCTTCGCCCTTGCTCTCTACAAGCTCTGACTCCATCCCAGTGGGCA
CCCAGCACCTCCAACCCCTCCACAGCCCCCAACCCAGCCTCTGTGCGGAGGCGAATTCTCA
GAGTGAGGGTTCCTGTCACTTGAGAGAAGGTTCCCTGTGACGTGACCTTGGGGGACGTC
ATTGCCCTTCTGTCCCCACCCACCCCTCCGCAGTCTCTGTTGGCCAGGACTTTGGCCTA
GACAAAGGATGGGGGTGTGGCTGCTGGAGCGGAAGTGGGTCTCAACCATATAAACTCTC
TCTATGCCGTCCGGAGCTGGTGAGGACAGCCTGCCAAGAGTCTGGTAAGAAAGGACTCA
GGGTGCGGGGACAGGGGGGCGTCAGCAGGGAGAGGGCAAAGATCGATAAAGCAGGAATTT
>EP30019 (+) Rn apolipop. CIII; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NNAAGGCTTGT
CCCCTGAGTCTTTTCCTGTCTACCAAGTCTCATCGAGGCAGGTCAGTAGCTGATCTCTTG
GCTGCCGGAGGTGGAAGTGAACGGTGTGGGCAATCTCTGAGGGATTTCCTCAACTCCTCTGG
CAGCTGGCTGCATGGCCCTCCCTGCCTCGGGCTCTGGTCTGGACTGTTTCAGCAGGTGACCT
TTGACCAGCTCACTGGGCCCTCTGTGCCCGCTGTCCCATCTGGAGCCAAATAAAAACAG
ATCAGAGCGTCCCGGCTTGCTGTGCCAGTTTTATCCCTAGAAGCAGCTAGCTACTCCAGG
TAATGCCCTTGGGGAGGAGAGGAAGGGAGGGAGGAGACAGAGAGAAGACGCTCTGGCCAC
>EP30022 (-) Hs apolipop. CIII; range -499 to 100.

TGCCGGAGCCACTGATGCCTGGTCTTCTGTGCCTTTACTCCAAACACCCCCAGCCCAAG
CCACCCACTTGTCTCAAGTCTGAAGAAGCCCCCTACCCCTCTACTCCAGGCTGTGTTCA
GGGCTTGGGGCTGGTGGAGGGAGGGGCTGAAATTCAGTGTGAAAGGCTGAGATGGGCC
CGAGGCCCTTGGCCTATGTCCAAGCCATTTCCCCTCTACCAGCCTCTCCCTGGGGAGCC
AGTCAGCTAGGAAGGAATGAGGGCTCCCCAGGCCACCCCCAGTTCCTGAGCTCATCTGG
GCTGCAGGGCTGGCGGGACAGCAGCGTGGACTCAGTCTCCTAGGGATTTCCAACTCTCC
CGCCCCCTTGCTGCATCTGGACACCCCTGCCTCAGGCCCTCATCTCCAATGGTCAGCAGGT
GACCTTTGCCAGCGCCCTGGGTCTCAGTGCCTCAGTGCCTGGAGATGATATAAAACAG
GTCAAGACCCCTCTGCCTGTCTGCTCAGTTATCCCTAGAGGCAGCTGCTCCAGGTAATG
CCCTCTGGGGAGGGGAAAGAGGAGGGGAGGAGGATGAAGAGGGGCAAGAGGAGCTCCCTG
>EP36007 (+) Hs apolipoprotein E; range -499 to 100.

GCTGGTCTCAAACCTCTGACCTTAAGTGATTGCCCCACTGTGGCCTCCCAAAGTGCTGGG
ATTACAGGCGTGAGCTACCGCCCCAGCCCCCTCCATCCCACCTTCTGTCCAGCCCCCTAG
CCCTACTTTCTTTCTGGGATCCAGGAGTCCAGATCCCAGCCCCCTCTCCAGATTACATT
CATCCAGGCACAGGAAAGGACAGGGTACAGAAAGGAGGACTCTGGGCGGCAGCCTCCACA
TTCCCTTCCACGCTTGCCCCCAGAATGGAGGAGGGTGTCTGTATTACTGGGCGAGGTG
TCCTCCCTTCTGAGGACTGTGGGGGTGGTCAAAAGACCTCTATGCCCCACCTCCTTCC
TCCCTCTGCCCTGCTGTGCTGGGGCAGGGGGAGAACAGCCCCACCTCGTGACTGGGGGCT
GGCCACGCCCCCTATCCCTGGGGAGGGGGCAGGGGACAGGGGAGCCCTATAATTGGAC
AAGTCTGGGATCCTTGAGTCTACTACGCCCCAGCGGAGGTGAAGGACGCTCTTCCCCAG
GAGCCGGTGAGAAGCGCAGTCGGGGGCACGGGGTAGCTCAGGGGCCCTTAGAAAGAGC
>EP36008 (-) Rn apolipoprotein E; range -499 to 100.

AGGGCTTGACAATGTATGGCTTCAAATCCATTGGGAGCCACCACTGAACAGCTCCTGAAG
GAAAGGAGCATGTCCCCAGCCCGGGATGGGGAGAGTTACCCGTGGCAGAGGAATCAAC
AAAGAGGGGCCAGGGCTAAACTCAGTTTTTCATCCAGAAGCTGAGCCTCTTAACAGATA
GAGCCCCCACCTATTTCCATTTAAGCCTCCAGCCCTTTTCCGTACAACGAATGCACCAG
ACCCCGCGGGAAAGGGGAGAAGCAGTACTCAGTGCCCCAGCACCAAGGCCTGGATTATTC
AATGAGGAGTCAGCTCCTTTTTGGGGGGGGGGGGGGTCAAGGCATCAAACTCCACC
TCTTTCCTCTGCCCTGCTGTGAAGGGGGGGGGGGGAGAGCAACCCGCTCTGTACAGGGGG
TTGGCCAGAGCCCGCTAGCCCTGAGGAGGGGGCGGGGCAGGGGGAGTCTTATAATTGGA
CAGGTCTGGGATCCGGTCCCCTGCTAGACAGCCCGAGGCTCAAGGAGTTGTTTCGGAAGGA
GCTGGTAAGACAAGCTTGGGCTGGCGATTACCCAGAGGGGGCTTGGTAAGACGTGGGCAGG
>EP16039 (+) X1 albumin 68K; range -499 to 100.

AACTAAGTTGGTGAGGAAAGTGATCAAGCCTACATGGAAATAATATGACAAATATTTAG
CAAATATACCCAGTGAAATATTTACAGTAAACATATTTTAGAATTATGGTAAATAAATGC
TTTACAAAGAAACATGCACAGATAAAAAGAATCACATAAGGCTATTTGAACTTTGCATAT

AATTAGACTAAATGAAGATTTGGGCACATACCAATACACTAGTATACACAAAGATCAGTT
TGCTTAACCTTTTGTTCAGCAATTACCAAAGACGTTGACTAGCCCATGCTAGGTTTTTTT
TCACAATTTAAAGGTTTTTCAAATTCAGAAAACCAATATAGAGCAACAGCAATACGTT
ATTTGACCTTAAAGGTTGATTGACATTAGGAAATTCACAAAGCTAAAACAACCTGCAAAC
AGAACAATTTGATAGGTTAATAATTTTCCAGATCTCTCTGAGCAATAGTATAAAACAAGA
GGTATCACTCATTTAGATCAGGCTTCTCAGAGGTCCCCACCAATACATCTCCAGTCAT
GAAGTGGATCACCTCATTTGTCTGTTAATTAGCTCCACTTTAATAGAATCAAGAATAAT
>EP07081 (+) Gg serum albumin; range -499 to 100.

TTATCTCTGTCCCTGAAGGATTGACAGCATGTAGACTATCCTAAGTAAAAATGGTATCTCA
TCTTTGTAAGGGGATTTAAAACTAAAATTTCTTAATATGAGTGAGTATGCAAACCTTAGCC
CTAACTGGGTGAATTATTACTGTACAATACAAACTTGCTGTGCTTTTGAACAAACAGTAG
CAAAAAAAGAAGCACAGCTATAGGATTAGACGATGACATTTTAGTGCGATGCCTTGAAC
CCTTGTGTTGTAATTTGATAAGGAAATTTACGTAAAACCTTATCTGTTTGGATGCTGGAAG
GTTCAACCTTTTTCAGGACAAAACGGTCTAGAGGAAAACATAATAAACAATAATATCAAA
TTCATTTTGGCAAGGACACTCCAAGTTTTGTAATCTTCAGACCAAATGGAAATCTACAA
TTGCCAGCTCTACAGTTAATGTTTTACAGAAGCAGTCAGTAAAAGGTATATAAGAAAATG
ATTTCCCTTCAATCATCTAGCATTTTGAATAATTTAGCCACATCATAATCTGCAGGCC
ATGAAGTGGGTAACATTAATTTCAATTCATTTTCTCTCTCAGTTCAGCAACATCCAGGAAT
>EP16040 (-) Rn serum albumin; range -499 to 100.

CTCCACACTTGTTTTATCGCTCTGGCTTCTCCAGTTCACACTTGAGACACTGTAAGC
TTTCTAGAAGATCCTAACTTTAAAGATGAGGAAGACTTGGAAGCCCGAGTCAACTCCC
CCTTCTCACACGAAGTCTTCACGGCCTCTACATAGAAACATATTTGGGAAGAACAAACC
TTGCAACTCAGCTTTTCAAATGTGCCCTGCTTCCCTGCAAACCTGAAATGCCCAAATGGGA
GACAGAGAGATTAACTCTTATGTAATAATTTGATGTTTTACATAACTTTAATGAATTGAC
AAAGCCTTTGGGGGGTGGGGGAGCTTCAGATGGCAAACATACGCAAGGGATTTAGTTAA
ACAACTTTTTTTTTCTTTTTGGCAAGGATGGTATGATTTTGAATGGGGTAGGAACCAA
TGAAGTGAAGGTTAGTGTGGTTAATGATCTACAGTTATTGGTTAGAGAAGTATATTAGA
GCGAGTTTCTCTGCACACAGACCACCTTCTCTGCAACCCCACTAGCCTCTGGCACAATG
AAGTGGGTAACCTTTCTCCTCCTCTCTCATCTCCGGTTCTGCCTTTTCCAGGGGTGTG
>EP16041 (-) Mm serum albumin; range -499 to 100.

TTCTTCTCAGTTCACATTTGAGACACTGTGTGCTTTATGGAAGATTCTAACTTTAAAAAG
ATGAGAAAGACTTGGAAGCCCTATAATGAGACCCACCCCTCCCTCATAACATTTCTCAT
TACCTGTACATAAAAGCATATTTGGGATGAACAACCTATGCAATTCAGTTCTTAGCTTTT
AAATGTGGCATGCTTCCATGCCAAGGCCACACTGAAATGCTCAAATGGGAGACAAAGAG
ATTAAGCTCTTATGTAAAATTTGCTGTTTTACATAACTTTAATGAATGGACAAAGTCTTG
TGCATGGGGGTGGGGGTGGGGTTAGAGGGGAACAGCTCCAGATGGCAAACATACGCAAGG
GATTTAGTCAAACAACCTTTTTGGCAAAGATGGTATGATTTTGAATGGGGTAGGAACCAA
TGAAATGCGAGGTAAGTATGGTTAATGATCTACAGTTATTGGTTAAAGAAGTATATTAGA
GCGAGTCTTTCTGCACACAGATCACCTTCTCTATCAACCCCACTAGCCTCTGGCAAATG
AAGTGGGTAACCTTTCTCCTCCTCTCTCTCGTCTCCGGCTCTGCTTTTTCCAGGGGTGTG
>EP16042 (+) Hs ALB; range -499 to 100.

TATATGTGTGTGTGCATGCGTGAGTACTTGTGTGTAATTTTTTCAATTATCTATAGGTAAA
AGCACACTTGGAATTAGCAATAGATGCAATTTGGGACTTAACTCTTTCAGTATGTCTTAT
TTCTAAGCAAAGTATTTAGTTTGGTTAGTAATTACTAAACACTGAGAACTAAATTGCAAA
CACCAAGAACTAAAATGTTCAAGTGGGAAATTACAGTTAAATACCATGGTAATGAATAAA
AGGTACAAATCGTTTAACTCTTATGTAAAATTTGATAAGATGTTTTACACAACCTTAAAT
ACATTGACAAGGCTTGTGGGAGAAAACAGTTCAGATGGTAAATATACACAAGGGATTTA
GTCAAACAATTTTTTGGCAAGAATATTATGAATTTTGAATCGTTGGCAGCCAATGAAA
TACAAAGATGAGTCTAGTTAATAATCTACAATTATTGGTTAAAGAAGTATATTAGTGCTA
ATTTCCCTCCGTTTGTCTAGCTTTTCTCTTCTGTCAACCCACACGCCCTTTGGCACAAT
GAAGTGGGTAACCTTTATTTCCCTTCTTTTTCTCTTTAGCTCGGCTTATTCCAGGGGTGT
>EP16043 (-) Mm prealbumin; range -499 to 100.

ATCTGACATTTGTATTTTCCAGTTTATAAAATGCCTTTATATCTTGTACATTTAAAGTT
CTTAGAAAATCTCCTTCAAAGAGAAATGCGATATTTCTGATTTACAAATGTGTGGTCTGA
TATCTGAGATAGGAAATCATTTCCAGAAGCAAGCAGGACATTGAGTAGCAGATCTGGGAT
TGGGTGTGTGAGAGCTTCAACACTGTCAGACTCAAAGGTGCAGGACAATAAGTAGTCTT
ACTCTGGCTGTATCTTCTCATTTGTTGCTTTTGGACGGTTGCCCTCTTCCCAAAGGTGTC
TGCTCTGCACATTTCTGATAGGCGAGTGTTCCGATACTCTAATCTCCCTAGGCAAGGTTTAT
ATTTGTGTAGGTTACTTATTTCTCTTTTGTGACTAAGTCAATAATCAGAATCAGCAGGT
TTGGAGTCAGCTTGGCAGGGATCAGCAGCTGGGTTGGAAGGAGGGGGTATAAAAGCCCC
TTCACCAGGAGAAGCCGTACACAGATCCACAAGCTCCTGACAGGATGGCTTCCCTTCGA
CTCTTCTCTCTTGCCTCGCTGGACTGGTATTTGTGTCTGAAGCTGGCCCCGCGGTGAGT
>EP28007 (+) Rn prealbumin; range -499 to 100.

TTTGACTACAGAGATTTTTTAACTGTTAAGGGGTCTTCCTTGTCTCATAACCAACTA
CAGTGGCATCTTCTGATGCACTGTATTAAGCCTGGACAGCCAGGGGTCAATAAACAAAAA

ACGAATCATTACAATTTATATCTATCATCTAAAACCAAAGGTA AAAATGTATAGAACTG
GGAAGATGCATAGAAATTGATAAGGGGAAACCCCCAAATCCTATGCACTCAGCCCCAA
TGAGCTGCTCTGGTTTGGTTTACATTGTTTCTGGTGTGGTTCTGGCTGGTCAAATGACC
AGTTAAGAATATTTCTAGAGCGAGTGTTCCGATGCTCTAATCTCCCTAGACAAGGTTCA
TATTTGTGTAGTTACTTATTCTCCCTTTGTTGACTAAGTCAATAATCAGAATCAGCAGG
TTTGGAGTCAGATTGGCAGGGATCAGCAGGCTGCCTTGGGAGGAGGGGGTATATAAGCCC
CTTACCAGGAGAAGTCATCGTAGAGATCCGCTGGCTCCTGACAGGATGGCTTCCCTTCG
CCTGTTCTCTCTGCCTCGCTGGACTGATATTTGCGTCTGAAGCTGGCCCTGGGGTGAG
>EP16044 (-) Hs prealbumin; range -499 to 100.

TGGATCCATCAAGTGCAAACATTTTCTAATGCACTATATTTAAGCCTGTGCAGCTAGATG
TCATTCAACATGAAATACATTATTACAACCTTGCATCTGTCTAAAATCTTGCATCTAAAAT
GAGAGACAAAAAATCTATAAAAAATGAAAAACATGCATAGAAATATGTGAGGGAGGAAAAA
ATTACCCCCAAGAATGTTAGTGACGCGAGTCACACAGGGAGAAGACTATTTTTGTTTTGT
TTTGATTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTGTGTTTGGTGACCTAACTGGTCAAATGACC
TATTAAGAATATTTCATAGAACGAATGTTCCGATGCTCTAATCTCTCTAGACAAGGTTCA
TATTTGTATGGGTACTTATTCTCTCTTTGTTGACTAAGTCAATAATCAGAATCAGCAGG
TTTGCACTCAGATTGGCAGGATCAAGCAGCCTAGCTCAGGAGAAGTGAGTATAAAAGCCC
CAGGCTGGGAGCAGCCATCACAGAAGTCCACTCATTCTTGGCAGGATGGCTTCTCATCGT
CTGCTCCTCCTGCTTGGTGGACTGGTATTTGTGTCTGAGGCTGGCCCTACGGTGAGT
>EP16045 (-) Mm a'-fetoprotein; range -499 to 100.

ATGCGATACTAAATAAAATAAAATATACTTGACCGATGGTTTTGAGCGAAATAATAAC
TGGATAATCAAGAAATATATCCACTAATGAATAGCCTGAACTACTGAAACAATTTGTTCA
GTGCTAGCATATGGTGTGCATTTTATTATTTCTTTCAAAAAGAATGTATTTGGAGTTAC
ATAGTAAGTCTGCTACCTTTCTTTATGGCTATATCTATGTCTTATGTTGAGATGAATGA
ATTATTTCTCAGGGGAAATAATCTATTTGAACAGTTTAGATGGTGAAGAACATTTGCAGC
ATTTGCAAGATTTTTTCCACTCTGAAGTGGTCTTTGTCCTTGAACATAGGATACAAGTG
ACCCCTGCTCTGTTAATTATTGGCAAATTGCTTAACCTCAACGTAAGGAAATAGAGTCAT
ATGTTTGCTCACTGAAGGTTACTAGTTAACAGGCATCCCTTAAACAGGATATAAAAGGAC
TTCAGCAGGACTGCTCGAAACATCCCACTTCCAGCACTGCTGCGGTGAAGGAACAGCA
GCCATGAAGTGGATCACACCCGCTTCCCTCATCTCCTGCTACATTTGCTGCGTCCAAA
>EP17052 (+) Rn a'-fetoprotein; range -499 to 100.

TACACCCCTTGACCAATGGTTTTGAGCTAAATAACAACCTGGATAATTAAGAAATACACC
CACTGATGAAGAGTCTGAATGACTCAGACATACGTTCAAGCGCTAGCATGCAACATGCAT
TTTACTATTTTTTTTAAAAAAGAATTAATGCATTTGGAGCTACATAGTAAGCCTGCTAT
ATTTTCTTTATGGCTGTATCAATGTTTTACATTGAAATAAATAAATCTTTCTTCAGCTTA
GGAGATACTTTCTATTGGAAGAGTTTAGTTGGCAGAGAACATTTGCAGCATTTGCAAGGT
TTTGTTTTTTTTTTTCCACTCTGAAGTGGTCTTTGTCCTTGAACATAAGATAGAAGTGAC
CCCTGTGCTGTTAATTATTGGCAAATTGCTTAACCTCAACATAAGGAAAAAAGTAACAT
GTTTGCCCACTGAAGGTTACTAGTTAACAGACATCACTTAAAAAGGATATAAAAGAACTT
CAGCGCTACTGCTCACAGTATCCGGCTTCTACCACTGTCTGGGATGAAGCAGCCAGCAAC
CATGAAGTGGAGCGCATCCATTTCTTCTCTCTGCTAAATTTTGCTGAACCCAGAGT
>EP16046 (-) Hs a'-fetoprotein; range -499 to 100.

GGGACAAGTCATCTCTCTGAATTTTTGTACTTTGAGAGTATTTGTTATATTTGCAAGAT
GAAGAGTCTGAATTGGTCAGACAATGTCTTGTGTGCCTGGCATATGATAGGCATTTAATA
GTTTTAAAGAATTAATGTATTTAGATGAATTGCATACCAATCTGCTGTCTTTTCTTTAT
GGCTTCATTAACCTAATTTGAGAGAAATTAATTATTCTGCAACTTAGGACAAGTCATCT
CTTTGAATATTCTGTAGTTTGAGGAGAATATTTGTTATATTTGCAAAAATAAATAAGTTT
GCAAGTTTTTTTTTCTGCCCCAAAGAGCTCTGTGTCCTTGAACATAAAATACAAATAAC
CGCTATGCTGTTAATTATTGGCAAATGTCCATTTTCAACCTAAGGAAATACCATAAAGT
AACAGATATACCAACAAAGGTTACTAGTTAACAGGCATTGCTGAAAAGAGTATAAAAG
AATTTTCAGCATGATTTTCCATATTGTGCTTCCACCACTGCCAATAACAAAATAACTAGCA
ACCATGAAGTGGGTGGAATCAATTTTTTAAATTTTCTACTAAATTTTACTGAATCCAGA
>EP14039 (+) Mm ser. amyloid SAA3; range -499 to 100.

CCCTGGTTAATCAAAGTCTCTAGATTTCTGCTGCTCCCTGACCTTCCATAGCAATATGGA
GTATACTGGAGTCTGGAGATCTCCGCAGCGTTGGGTGCTAAATGCCAGCTTCTGCCTCC
CATCTCCTGTTCCCTAAGGCTCCAGCTTAAACCTGAACTGAGCTTTGAAAGGGCATTAG
CTTAGCCTTTGGATTGGATCCCATGATTTATCACACATTCATATTTTTCTTTCTAATATT
GCTCCCCCCCCCAAGAACTGGATATAAAGCATTTGTCTTGATTATTTCCAACCAGGAT
GGCGAAGACTTCAGAAAGTCCTAACTGGCCACATTTCTGGAAATGCCTAGATGGCGCAAT
CTGGGGAAAGAAGATGTACATGAAGGAAAAGTTATCTTCTGAAAGAGAAATTATGGGTAA
GTGGGATTATGCAAGATCAAACAGGGATTGCTCCATTAGTGAGTGACAGTATATATAGA
TATCCTCGGCCACATCTCCTCAGCAAAGGACAGAAGCCACTCACCTGGGGTCCCAGAAGG
AGCTCGCAGCACGAGGTGAGTTGCCAGAATTTCCAGCATTTCTCTTTGCAGATTCTTT
>EP26029 (+) Hs CRP; range -499 to 100.

ACTTAAAGTATAATAATAAAAAAATGTGTCCATGGCTCTGGGAGGAGCATGTTTGT

TTCCTCATTTCCAGTCTGTAATAAGCAAATTGAAAGGGGTTAGTGATAATGTCCATCT
CCAGAAGCTGTGAGATTTCTTTGTCAAACCTCTATGATTTGGGCTGAAGTAGGTGTTGGA
GAGGCAGCTACCACGTGCACCCAGATGGCCACTCGTTTAAATATGTTACCATTTCCCATT
TTTTTCGAGGATAGATAGCCAAAGTGGAGCCCTGAGAGATTTCTTCATTTTCTGTGCAT
AAAGAATTGGTAATTCAGTAGTCATAGGAGTTTGTAAATAAACTCACATTGATTTCTC
TGTTCTGAAATAATTTTGCTTCCCTCTTCCCGAAGCTCTGACACCTGCCCCAACAGCA
ATGTTGGAAAATTATTTACATAGTGGCGCAAACCTCCCTTACTGCTTTGGATATAAATCCA
GGCAGGAGGAGGTAGCTCTAAGGCAAGAGATCTAGGACTTCTAGCCCCGAACTTTTCAGC
CGAATACATCTTTTCCAAAGGAGTGAATTCAGGCCCTTGATCACTGGCAGCAGGACGTG
>EP11089 (-) Mm whey acidic p.; range -499 to 100.

CATGGAGCAAGCGCCTCCACACTCTTAGAAGAATTTTGAAGAACTCCAGAAAAGCACCA
GGAGAAGTCACCCTCAGATGTAGCCCGACTCGAGCCTTGCTCAAAACCTCCTGTCTGT
TTTCTATGTGACTGTACAAATTTGGAGCTCAGAATTGCCTTTGTCTGTGATGGGTCCAA
CCCAACCACTCAAAGTGACACTTGTACATTTGTCACTGATCCTATTTCTTTTCTGT
CTCCTTCATTTTCTCCGCTTTCATAATAACAAGTATTACTTTTAAAGTGGGGGAAAAAA
TGACCACCCCTTACAAAGGACTTTTAAAAATGGCCTCCATTGTGGCCCTTGTTCTGGCA
GCCTGGCCCTGCTCTCTCTGTGTGGCCAAAGAAGGAAGTGTGTAGCCCATCTAGAGCTGT
GCCAGCCTCTTCCCCACCCACCCCAAGTCTTCTCCTGTGGGTCTTTAAATGCAT
CCCAGACACTCAGACAGCCATCAGTCACCTTGCTGACACCGGTACCATGCGTTGCCTCAT
CAGCCTTGTTCTTGGCCTGTGGCCCTGGAGGTGGCCCTCGCTCAGAACCTAGAGGAACA
>EP14040 (+) Rn whey acidic. p.; range -499 to 100.

CTGTGCGTATCTTCAGACACACCAGAAGAGGGCATCATATCCCACTGGATCCAGATGGT
TGTGAGCCACCATGTGGTTGTGGGACCTGAACTCAGGACCTCTGGAAGAGCAGTCAGTG
CTCCCAACCACTGAGCCATCTCTCCAGCCCTCGGAATTTCTTTGTCTGAGAAAGGGGTC
CCAACCCAACCACTCAAAGTGATATCTGTACATTTGTTACAGATCCCATTTCTTCCTTC
TCTGCTCCTTAATTTTCTTCATTTTACGATAAACAAGTTTACCTTTTAAAGTGGAAAAA
TAACGACCACCTTACAAAGGACTTCTTAAAAATGGACTCCATTGTGAGCCTTGTTCTGT
GCAGCCTGGGCTGTCTCTGCATGTGTCCAAGAAGGAAGTGTTTAGCCCATCTACGCC
TATGCCAGCTGCCCCCTCCTTCCCCAAAGTCTTCTCCTGTGGGTCTTTAAATGCAT
CTCAGACACTCAGGCTACCATCAGTCATCACTTGCTGCCGCCGCCGACACCATGCGCTG
CTTCATCAGCCTCGTTCTTGGCCTGTGGCCCTGGAGGTAGCCCTTGCTCGGAACCTACA
>EP07091 (+) Rn a'-lactalbumin; range -499 to 100.

TCTCCGAGGCTCTCAGATATGAGCTGCCGATCAAGGGGCTTCCCTGGACTTTGTCCCAT
GGTTAGGTAGGCCAGACAAACGCCACCTTTGGTCTAGGATATGATAAATCCCTTTCCAC
ATTCTGTATGTGTTTCGGGGTAGAAATGGAGTTGGCTGTGGTCAACTGTGTTTTCCAATC
ACCTCACTTGTGCTGTCTGAAGCCTCCTTTGTTCTAAGGTTAGGGACATCCTGCTTCC
TAGAAGCAGCCCTGAAAGAAACAAAGGTTTACCAAACTGAGCGAGAAGCTGGATCATTG
TAGAACTATATGGGCAGAAAACAATACTTGGTATTGACTGGATACAGGAGGTGGGGAGGG
TGGCAGGATGGAGGGAAGTTGGCAGGCTCGGCGTTTCTATCTTGGCAGAACTTCTCGTC
ATCATCATCTTCTAGAGAGAAGGCTGGTGCCAGGGGGCCAGAGGCTTCTTCATAAAT
AAAAGCAGGTGAAGTGAGTGGATCCACATTCAAGGTCTGGGAGCAGGCAAAATGATGCG
TTTTGTTCTCTGTTCTGGCGTGATTTCTGCTGCCTTTCAGGCCACAGAGTTTAC
>EP11090 (-) Bt a's1-casein; range -499 to 100.

AGATTAGACCACATATAATGTAACCTATTTCAAGGTAATAATTATAATAAATAATAT
GGATTAACCTAGATTTTTAAAGGTGAAATAAATAATGAATTTCTTCATGGTCTTGTATGT
TAATAAAAATTGAAAAATTTTGAAGACCCATTTGTCCCAAGAATTTCAATTTACAGGTA
TTGAATTTTTCAAAGGTTACAAAGGAAATTTATTGATATAATAAATGCATGTTCTCATA
ATAACCATAAATCTAGGGTTTTGTTGGGGTTTTTTTTGTTTGTTAATTTAGAACAAATGCC
ATTCCATTTCTGTATAATGAGTCACTTCTTTGTTGTAACCTCTCCTTAGAATTTCTTGG
GAGAGGAAGTGAACAGAACATTGATTTTCTATGTGAGAGAATTCTTAGAATTTAAATAAA
CCTGTTGGTTAAACTGAAACCACAAAATTAGCATTTTACTAATCAGTAGGTTTAAATAGC
TTGGAAGCAAAAGTCTGCCATCACCTTGATCATCAACCCAGCTTGCTGCTTCTTCCAGT
CTTGGGTTCAAGGTATTATGTATACATATAACAAAATTTCTATGATTTTCTCTGTCTCA
>EP15030 (+) Rn a'-casein; range -499 to 100.

AAGAGTTGTGTTTTCTCCCCCTAAAGAATTATTTAGAGTACATATAATATACACTAC
TACATAAATTAAGTTACCAAAGAGTAATTGAAGACAAATGACATTTTAAAAAGGTACAGC
TTTTTAAAAATGGCCCATATGTTCTCAACTTTGAAACATGGAGGACCTTATTTTCCCA
AGGATTTTCATTTAGGAAAATTGATTTTTTTGATATAATGGAGTTCTGTGCATTCAACAT
AAAGCATGATCCAGCAACAATATGAATCTTCATGGTTTTGCGTTTTGTATTTCTATAT
AATTTGCCATAATAACATGAATCACTCCTTTGTTGGAGACTTTACTCAGAATTTCCAGG
AGAGGAATTGGACAGAAATTAATTTCTATTTGCAACAATTCCTAGAATTTATGTAAAC
CTTTGTCTGAAACAAAACCACAAAATTAGCATTTCACTGCTCAGCAAGTTTAAATAGCTG
TGGAGCAAATCTCAGCCATCTTCTTGATCATCTCCAGCTTCTCTCACCTACTCTTG
GGTTCAAGGTATTGTGATTATACAGAAGAAACATGCAATGATTTTCATAAATCGAACTT
>EP30004 (-) Mm b'-casein; range -499 to 100.

TGCATAAGGCTGTACCCTTTGTATCGATTTCTAATGTAGGGTAATTACTATTCCTTAAAC
TCCGGGTATTGTGGGCTACCAAGAGATTGATCCACAGGATCATTCAATTTCTAGCTTAT
TGAAGTTTTTAAAGTCACGGTAGAGATAAAATCTGGGCTCTCCTGAAGTCCTTGAAATTT
GTAGCTTCTAAAATTTTGGCACAATGTGGGAATTTAAAGCGTCCACTACGGGAAGGATTG
TTCGGAGACATTGGTACTGACGTAGAGGGCAAAGTCAGATATGGGGAAATCCCCTAACCT
GACCAGTCCCTTCTTCAGCTCCTGGATGGCTTCCCGTTTTTTGTCTCCCAAATTTCTG
GAGGAAAATGTAAGACCGCACACATTTCTATTACTTGGAACCTTTTAGAATCAATGACC
TATTGAAAATTTCTACCAATTACATAGTAGCATTTTCGTTTCAGTAGTGTATATATAGTTC
CAGATTCTAATCGACACTCATCATCTTTTCAGCTTCACCTCCTCTCTTGTCTCCACTAA
AGTATACATCGAGCGATGTTAAGATTTACTATGTTTTTTGGTATTTTACCCCAAAAATTT
>EP30005 (-) Rn b'-casein; range -499 to 100.

ATGTAAAACGCACTCCCTGTGTACTGAATATTAGTTGAATGTATTTAAATTTTCCCAAA
TCTGGTGAATGTGAGCAATCAAAAAGTATGCTACTCATGACCAGTCTATCTTAGCATTAT
GGAGTTCTTAGTGCTCAGGTGGAGATGAAATCTTGGCCTCTCTAAAGCTTTGTGAATTTT
GATGTCTCTATATCATTGCCACATAGGTGAGGTAAAGCCCCCACTAGGCTGGGGAGAG
TGCTGAGGACTGTGTACTAGGCTGGAGAGACGTCCAGTTATTGGACAATTTCTTTTCCTG
GACAAGTTCCCTTACCAGCTTCTGAATTTGCTGCCTTGTAAATGTCCTCCAGAAATTTCTT
GGGAAAGAAAATAGAAAGAAAACCAATTTCTAATCATGTGGACTTCTTGGAAATTAAGGGAC
TTTTGAATATCTTACGAACCACAAAATTAGCATGTCATTAAGTATGGTATATATACAGTCA
CAGAGTCTGATAGACCATCATCTCTGAGCTTCATCTTCTCTTGTCTCCGCTAAAGG
TAAGAAGTTCAGACGTAAGTTTGAATATTATTTTCAATTTTATTTCAAACCCATACTA
>EP30006 (+) Oc b'-casein; range -499 to 100.

AATGGTTCTTGACACTAAACAGTTGACCTCATTTGACTAAGCTATCCTCATGAAGTAGTT
GCTTTGTTAATTTCTCCACTGTGACATAAAGGACTGTTTCAGGTTATCATGAAGTCATGGT
CTTTGTGAGCCCTGTGTATCGTTGGTGTTCATATAGAATTTCCCTACAGTTGAGATCTT
TAGGTCTCCCTAGACCCAAAAGAAACCTAATAGTGCTCACATTAGTATCTTGGAGACTAG
GCTGGAGCACCCTCTTCTCCAGCCATTGTGTTTATTATTGGGCAATTCATTTCTGGAC
ACATTTCTTTATAGGCCTATGAATTACTGCCTTGTCTCAATGCTCCCCAGAATTTCTGG
GGAAAGATAATGAGTAGAAATCATTTTCTAATCATATGGAGTTCTTGGAAATTGAACTCA
AAATCGATTTTTTTTTTCAAACCAAAAATTAGCATGTCAATTAATGGAGTATATAAGC
ATCCCCAAAAGCAGAGAACATCATCCACCCAGCTTCATTTTCACTTCTTGTCTCCACCT
TGGAATAAAGGTAAGAATTCNN
>EP30007 (-) Bt b'-casein; range -499 to 100.

ATATTCAGGAGGCTATTCTTTCTTTTAGTCTATACTGTCTTCGCTCTTCAGGTCTAAGC
TATCATCATGTGCTTGTAGCTTGTCTTCTTCTCCATTATAGCATAAACACTAACAACCTA
TTCAGGTTAGCATGAGATTGTGTTCTTTGTGTGGCCTGTGTATTTCTGGTGTGTATTAGA
ATTTACCCCAAGATCTCAAAGACCCACCGAATACTAAAGAGACCTCATTGTAGTTACAAT
AATTTGGGGACTGGGCCAAAACCTCCGTGTGTCCAGCCAAGGTCTGTAGCTACTGGACA
ATTTAATTTCTTTATCAGATTGTGAATTATCCCTTTAAATGCTCCCCAGAATTTTGT
GGGACAGAAAAATAGGAAGAATTCATTTTCTAATCATGCAGATTTCTAGGAATTCAAATC
CACTATTGGTTTTATTTCAAACCAAAAATTAGCATGCCATTAAATACTATATATAAACA
ACCACAAAATCAGATCATTATCCATTACAGCTCCTCCTTCACTTCTTGTCTCTACTTTGG
AAAAAAGGTAAGAATCTCAGATATAATTTCAATGTATCTGCTACTCATCTTTATTTTCA
>EP07092 (+) Rn g'-casein; range -499 to 100.

CTGTTTTGTAGGACACAGAGGACTTGTAACCTCTAGCTCCATTGAATCCAAATCACTTTTC
TGGACTTTGGACTTTGAAGTTTCTGCATGCACATGATACATACATGCTCTCAGGGCT
ACGCACATACACATGAAATAAAATAATGAAATAAAGTTCAAAAATATAAATGAGATAACA
AATATCTACTGTTTATAATCTAATAACAAATGGGGAAAGTTTTGAAAACACTAGAATTTG
AGAATGAGTTTATAGAACAGGTGAGTCTGCCTTACACAAAATTCATTAACCACACACA
TCTTCCATTATCTTATCATGGCCTCAATCAAACGGTTTAAAGAACTCCCTAGAATCTGTGG
AACAAAATCCAGAGAGACAATTTCTAATGATATTGCTTTCTTAGAATTCAAATGTCTTTT
TAGGTATTTGAAACACAGAATTAGCATATGATGCTAGAACCTGGTTTAAATAGTGCGGG
AGCTACCCACTGCTATCATCATCTACCTATTCCTCTCGTCTTCCACTTGGGAAGCAAGGT
AATGTTTCATATTATTTTCTTTTATGGCATACTAAAACATATTTCAAAGTATGTTAA
>EP30028 (+) Oa b'-lactoglobulin; range -499 to 100.

TCGATACCGACCAAGTCTCCCTCGGAGCTGACCTGAACCCCATGTCACCTTGCCCCA
GCCTGCAGAGGGTGGGTGACTGCAGAGATCCCTTCACCCAAGGCCACGGTCACATGGTTT
GGAGGAGCTGGTGCCCAAGGCAGAGGCCACCTCCAGGACACACCTGTCCCCAGTGCTGG
CTCTGACCTGTCTTGTCTAAGAGGCTGACCCCGGAAGTGTCTTGGCACTGGCAGCCAG
CCTGGACCCAGAGTCCAGACACCCACCTGTGCCCCGCTTCTGGGGTCTACCAGGAACCG
TCTAGGCCACAGAGGGGGACTTCTGCTTGGCCTTGGATGGAAGAAGGCCTCTATTGTCC
TCGTAGAGGAAGCCACCCCGGGGCTGAGGATGAGCCAAGTGGGATTCGGGAACCGCGT
GGCTGGGGGGCCAGCCCGGGCTGGCTGGCCTGCATGCGCCTCCTGTATAAGGCCCAAGC
CTGCCTGTCTCAGCCCTCCACTCCCTGCAGAGCTCAGAAGCACGACCCAGCTGCAGCCA
TGAAGTGCTCTGCTTGGCCTGGGCTGGCCCTCGCCTGTGGCGTCCAGGCCATCATCG

>EP14047 (+) Hs PRBP; range -499 to 100.

TATAAAATGAAAACTACTTGGATGAATTATCCAAAATTCCTGCACAAGTGGACCTCAG
AAGGCAGACGGAGGCGCCAATTTGGCATGGCCAGGGCCTGGGCACTCACGCACCAGGGAG
CCTCGCGGGTCCGCTCTCGCTCTGTGAGGCCACGGTCTTCCCGCCAGGTTGACTCGAGCC
TCCTGCCAGAGCCACTGGCCCCGGAGGCCACCCTAGACCGCAGCTGGCGGCCGCTGGCAC
GAGTGCAGGGTAACTGAGCCAGGGCCGCTGGCGCATTTGGCCTGGCCGAGGCCACCCCGC
GCGGCCGCTCCACTGTGCCGAGGCTGTCTGGAGGTGAGGCCGGCCACAGGGACCCTG
CCCGTGCCCGGGCTCCGGTGAGTCAGGGCGCGTTATGCAAGTGCCCCGGCGCTTCCCT
TCGGTCTTTACCCCGCGCGTTACGAAAGCGCGACCCCTCCCCCGCGCTATAAAGC
AGCGGGGCGGCGCGCGCGCTCGCCTCCCTCGCTCCACGCGCGCCCGACTCGGCGGCC
AGGCTTGCGCGCGGTTCCCTCCCGGTGGTGAATCGCGCGCGGGGCTCGGGGCCGCGCG

>EP16070 (-) Hs a'1-AGP1 A; range -499 to 100.

TTGCCACACTCAGTGGAAGTGAATCCATGTTTCTCTTACCCGGCATCCTTACCCCAAC
TCTCCCCGCCACAACATACATCCCATGCCAGCGTGGGGACCCTCAAAGGTGGCTTCATCA
TTAGGTTTGTGGCTGGGTCCCACTGAAGTAAGTCTTGGCACTCAGAGGGATAGGAATTGA
ATGAAGACATGAGATTCTCTGCGGGAGGCCTCTCTAGGAAATCTGTGGACTCACACGTT
TACTAATGTTGTGCTGAGCCCCGACCCACCTTGGCCTTGGGCAGCCATACTCTAGGGCTT
TTGTAACCTCTCCATGTGAGGAACCTCAAATTAGACCTGGGTTTGGAGGCGGTGCTCCGAG
CTGGCCTTTGGGGGAGGTTTTGTGCGAGGCATTTCCCAAGTGCTGGCAGGATTGTGTAC
AGACACAGAGTAACTTTTGTGGGCTCCAAGTGACCGCCCATAGTTTATTATAAAGGTG
ACTGCACCCTGCAGCCACCAGCACTGCCTGGCTCCACGTGCCTCCTGGTCTCAGTATGGC
GCTGTCTGGGTTCTTACAGTGCCTGAGCCTCTACCTCTGCTGGAAGCCAGATCCCAT
>EP60006 (+) Hs a'1-AGP2 B; range -499 to 100.

GTTGCCACACTCAGTGGAAGTGAATCCATGTTTGCCTTACCCGGCATCCTTACCCCAA
CTCTCCCCGCCACAACATACATCCCATGCCAGCCTGGGGACCCTCAAAGGTGCTTCATCA
TTAGGTTTGTGGCTGGGTCTCTACTGAAGTAAGTCTTGGCACTCAGAGGGATAGGAATTGA
ATGAAGACATGAGATTCTCTGCGGGAGGCCTCTCTAGGAAATCTGTGGACTCACACGTT
TACTAATGTTGTGCTGAGCCCCGACCCACCTTGGCCTTGGGCAGCCATACTCTAGGGCTT
TTGTAACCTCTCCATGTGAGGAACCTCAAATTAGACCTGGGTTTGGAGGCGGTGCTCCGAG
CTGGCCTTTGGGGGAGGTTTTGTGCGAGGCATTTCCCAAGTGCTGGCAGGATTGTGTAC
AGACACAGAGTAACTTTTGTGGGCTCCAAGTGACCGCCCATAGTTTATTATAAAGGTG
ACTGCACCCTGCAGCCACCAGCACTGCCTGGCTCCACGTGCCTCCTGGTCTCAGTATGGC
GCTGTCTGGGTTCTTACAGTCTGAGCCTCTACCTCTGCTGGAAGCCAGATCCCAT
>EP27014 (-) Rn a'1-AGP; range -499 to 100.

CAGGGCTGGGTAGGGGTCCCAAGGAGCATCACACTCACTTAGAAACTAAACCATCTTTGT
TCTTGCCCTCAACTTGAGCCCTCAGTGTCTTCTAAGTTTACTAACAACCTGACCTGG
GACCTCTTCATAACTCCCTCAGGGGTTGATTTATGTGTAGATCTTACTCCTGCTAGGCAG
CCCTCCCAGGGCTAGGAGGCAGATGAGACCTATATTACAATCTCTGACTGGTACCATGTC
AAGTTTCATCAGGCTAGCCTTGATCCCATCTTGGCCATGAATCAGCCACTCTGGTTTTCA
AGCAGCTTATAGGGCAGGAGCCTGTGTGAGGGCTGGCTGGCTGTGGGAACAGCCAGCCC
AAAGCTGGCTTGAGGGAACATTTTGTGCAAGACATTTCCCAAGTGCTGGTGAGATTGTGC
CACAGCTCTGCAGCCCCTGGCTGCACGCCCATGCCCTTCCACACCTTGTATAAAAGTC
ACTGCACTCTCCAGCCACCAGTTAGCTCTTCTGGGCCGGTGCCTCTGAGTGTCTTCGGC
ATGGCGCTGCACATGGTCTTGTGCTTTTGTGAGCCTCCTGCCCTTGTGGAAGCTCAGAAC
>EP17098 (+) Rn a'2u-globulin P01; range -499 to 100.

CTCCTTTTGACCTCCTTCTGGCTTTCTTGGCCCCAGGTGTGTGCATGGTACACATGCAAA
ACCAATGCTCATACGCATGAAATGTGAATGAATCTTTTCAAAGAAAACCCAAGTAATTCA
TTTTCTTCCCACTCCACTCAAGTCTTGAAGCAAAGATTCTCTCCATGCTTGACCTTCCA
GTTCAAGTACCCGCCCCACTCCATTAGGCTTTCTGATACCAAGTCAGATTCAAAGTTGCA
TCTGGTTCGGATAGCCCTGTGAAGTCTCACTGTTTTCTTGGGATTACATTTTTTGAA
ATGTATTACTGATAAAATCAATCCATAGGAGATGAGGTTGCCAAGTTGGAAAGGGCAGGA
ACAATCCTTGGCTTACAGCAGTACATGAGAAAACATTTCAAAAACCTGAGGGAAGGAG
GCCCATGTGAGAAGGAGAAAAAAAACACTCGAACCCAGAGAGAGTATGAAGACGAGC
AAAGTGCTGGAGGTGGAGTGTGGACACCATCAGCAGAGAGATTGTCCAGCAGAGAGGCA
ATTCTATTCCCTACCAACATGAAGCTGTTGCTCCTGCTGCTGTGTCTGGGCTGACCCTG
>EP17099 (-) Rn a'2u-globulin 001; range -499 to 100.

AATCTGACTCCTTCTTTCACATCCTTCTGACTTTCTTGGCCCCAGATGTGTGCATGGTAC
ACATGCAAAACCAATGCTCATACACATGAAATGTGAATGTTTTAAAGAAAACCCAAGTA
ATTCAGCTTCTTCCCACTCCACTCAAGTCTTGAAGCAAAGATTCTCTCCATGCTTGACC
TCCAGTTCAGTACCCACCCACTCCATTACTGGCTTTCTGATTCCAAGTCAGATCCAAAGT
TCATCTGGTTCCAGATAGCCCTCTTGAACACCCACTGTTTTCTTGGAAATATGCTTTGT
GAAATGTATTAGTGAAAAAATCAATCCATAGGAGATGAGATTGCCAAGTTGGAAAGGGC
AGGAACAATCCTTGGCTTTCACATCAGTACATGAGAAAACATTTCAAAAAGCCTGAGGGAA
GGAGGCCCATATGAGAAGGAAAAAAAACACTGGAACCCAGAGAGAGTATAAAGACGAGC
AAAGTGCTGAAGGTGGAGTGTGGGCATCATCAGCAGAGAGATTGTCCCAACAGAGAGGCA

ATTCTATTCCCTACCAACATGAAGCTGTTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGGGCTGACACTG
>EP24030 (-) Mm MUP(I)2 BL6-51; range -499 to 100.

ACTCCTTCTTCTGACCTCCGCTGCACCAGGCTGGACATGGTACTCAGGTACACATGAAA
AACCAAGTGTCTACACATGAAATATAAATGAATCTTTTGCAAAAATTGGGTAACCTCAAG
TTCTTCCATACTCATCTTAAAGCAAAGATTCTATGCATACTTGTCTTCCAGTTCAGTCT
GTACTCCCTCCAAAACCTGGCTTTCTGATTCCAAACCAGATCCAAAGTTGCATCTGATTCC
AGTTGGCAGTTCTCTTGAACACCCACTGTTTTATTGGGAATATGTTTTGAGAAGCATAAG
ATTACTAAATCAATCCATAGTTTATGAAATTGCCAAGTTTGCAAAGGGCAAGGAACAATT
TTTGGCCTCTAATCAATAAATGAGAAAACATTCCACAAAGCCTAACAGAGGTAGAGGAGA
CCCATACGGGAAGAGGGGAAAAAAAAAAAAACCCGCTGAACCCAGAGAGTATATAAGGACA
AGCAAAGGGGCTGGGGAGTGGAGTGTAGCCACGATCACAAGAAAGACGTGGTCTTGACAG
ACAGACAATCTATTCCCTACCAAAATGAAGATGCTGCTGCTGCTGCTGTTTGGGNNNNN
>EP11162 (-) Mm MUP(I)3 BL6-3; range -499 to 100.

CAGGCCTGGACATGGTACTCAGATACACATGAAAAACCAAGTGTCTACACATGAAATAT
GAATGAATCTTTTGCAAAAATTGGGTAACCTCAAGTTCTTCCATACTCATCTTAAAGCAAA
GATTCTATGCATACTTGTCTTCCAGTTCAGTCTGTACTCCCTCCAAAACCTGGCTTTCTG
ATTCCAAACCAGATCCAAAGTTGCATCTGGTTCAGTTGGCAGTTCTCTTGAACACCCAC
TGTTTTATTGGGAATATGTTTTGAGTAACATAAGATTACTAAATCAATCCATAGGTTATG
AAATTGCCAAGTTTGCAAAGGGCAAGGAACAATTCTTGGCCTCTAATCAATAAATGAGAA
AACATTCCACAAAGCCTGACAGAGGTAGAGGAGACCCATACGGGAAGAGGGGAAAAAAAAA
ACAAAACAAACAACAACAACAAAAAAAAAACCCGCTGAACCCAGAGAGTATATAAGGACA
AGCAAAGGGGCAAGGGAGTGGAGTGTAGCCACGATCACAAGAAAGACGTGGTCTTGACAG
ACAGACAATCTATTCCCTACCAAAATGAAGATGCTGCTGCTGCTGCTGTTTGGGANNNNN
>EP24031 (-) Mm MUP(I)4 BL6-42; range -499 to 100.

GCTGCACCAGGCTGGACATGGTACTCAGGTACACATGAAAAACCAAGTGTCTACACAT
GAAATATAAATGAATCTTTTGCAAAAATTGGGTAACCTCAAGTTCTTCCATACTCATCTTA
AAGCAAAGATTCTATGCATACTTGTCTTCCAGTTCAGTCTGTACTCCCTCCAAAACCTGG
CTTTCTGATTCCAAACCAGATCCAAAGTTGCATCTGATTCCAGTTGGCAGTTCTCTTGAA
CACCCACTGTTTTATTGGGAATATGTTTTGAGAAACATAAGATTACTAAATCAATCCATA
GGTTATGAAATTGCCAAGTTTGCAAAGGGCAAGGAACAATTCTTGGCCTCTAATCAATAA
ATGAGAAAACATACCACAAAGCCTGACAGAGGTAGAGGAGACCCATACAGGAAGAGGATA
AAAAAAAAAAAAAAAACAATAAAAAAAAAAAAAAACTGAACCCAGAGAGTATATAAGGACA
AGCAAAGGGGCTGGGAAGTGGAGTGTAGCCACGATCACAAGAAAGACGTGGTCTTGACAG
ACAGACAATCTATTCCCTACCAAAATGAAGATGCTGCTGCTGCTGCTGTTTGGGACT
>EP41010 (+) Mm I-FABP; range -499 to 100.

TCTCATGTCTCCGAAGTTTGATATATGTTACAAATTATATTACCTGCTACATAGTGTGCA
CTTTGAACTTGTAATAGAAAACCTACCTTGAGAGTTTCTTGTTGTTGTTGTTGTTGTT
TGGATTGTTTTATTGCCTAATTCATTTTTGTTGTTTGGCTTTTGGCTGGAGTGGAACCTC
CTTTTAGACCAACCTTAGAACTGGCTGCCTCTGCCTCCGGAGAGCAGCGATTAAGGTGT
CAGCCATCATTACCTGGCCCTAATTCCTGAAATAAAATGCCACATGCTGTAGTTGAAG
GCAGAGTAGGAATGATTATCAGATTTTAATTCAGTTGAATCCAGCAGTAGATTCAAAGA
AAGCATGGGAAGAGAAACCAAGGGGCTGGCATGTGAGCGGTTAGGTTATCTCCTGAA
CTTCGAACCTCCACATCAGATATGAATTGGTTTGAAGATAAGAAATAGAATAAATTCTC
TCTAGTGGACAGGACTGGACCTCTGCTTTCCTAGAGACACACAGCTGAGATCATGGCA
TTGACGGCAGCTGGAAAGTAGACCGGAACGAGAATGAAAAGTTTCATGGAGAAAATG
>EP07099 (+) Oc uteroglobin; range -499 to 100.

CAGGCAATGCTCAGCAATGCTCTGAACCCAGTGACCTTACGGCTCAACGTCCAGCCA
CCTTCCTCGGAGGGGGGAAGCAGAGGAGCCAGTGCAGCCACAGGATCCTGGGTGCTCCT
ATCCTGTACAGCCACTTGGCCCTCAGCTTCTTCTGGGGTGACAGGAGACACACTTGCTT
CTGTTGCTGTGGGCTGCCAAATGCCTTGTTTCAAAGAGAAGACGCAGGTGGCTAGGTCA
CCATGCCCTCGGGGCAAGGACCCCTTACCACACCCCGCACAAAGACTCCGGGCTCTCCC
TCCCCCGAGGGACCCATTGTGTGAGTTCAAGTTTCAATAGGGATGGAACTGGATTGAGA
AAAGGGAATATTACTTATCCCAAGTCAATGCCAAGTAAATAATGCAGTCAAGTAA
GTGGAGCCCAGGCCCTGCCCTCTTCTATCTGGGCACTGCCCGGAGAATACAAAAGGCAC
CTGACGGCCGTCCTTCAAGATCACCGGATCCAGAGCCAGCCAGAGCCTTCCATTCT
GCCACCATGAAGCTCGCCATACCCCTCGCCCTGGTACCCTGGCTCTCCTCTGCAGCCCT
>EP16047 (+) Rn PSBP C2; range -499 to 100.

CTGAGCTCAATACCTGAGGTTCAAGCTTGAAGGAAAGAACTGACTCAATTGTTCTCTG
ACCCATACTTGTACTTTGCAGAATACACATATACAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAG
GAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAAGGAGTATATTTAATGTCAAAACATCTAATTGC
CATAAGATCCATTTTATACCATTTGAAATTTTGTCTGTTTTAAATCTACTGAGAAA
AAGAGGCAGAAATAGTCATACATGGGAATGAACTAAACCATTAAAGTTACAAAGAAAACA
TAATTTGATCTATGTTAACTGAATATTTCTCAATTTCTGCTTTTTTCAATGTCATGTT
GATGGAATTTATCAATAATGTCTCTTCTAAAAATTGTGTCTGCTGTTGTCATGTTAATAG
TTACAAGCTTTGTGAGCTTGCTGAGGCAAGACCAGTAAGCCTCACCATGTATAAATATC

CCTGGTCCCCACAGTCTCTGGGAGAGTCCATTGCTCAGTCTAAAAGCAAAGTGGAGACC
ATGAGGCTGAGCTGTGTCTTCTGACATTCTGGTTGTTTGTGCTATGAAGGTGAGTAT
>EP07098 (+) Rn PSBP C3; range -499 to 100.

AGGAAGAAAAGTGGGATGCTATTAACAAAGCAAATAAAGAGAGAAAAGAGGGGTTGGGG
ATTTAGCTCAGTGGTAGAGCGCTTGCCTAGCAAGCGCAAGGCCCTGGGTTCTGGTCCCCAG
CTCCGAAAAAAGAAAAGGAAAAAAGAGAGAGAGAGAAAAAGAATGAGGAGAATGGA
GGAAAAGGAAGGGAGAGATGAGACCACCTTAAAAATCAGAAGAGCAGATGATAAAACCAG
CCCACAGTGTGGAGTCTGCACTGGACTTTAGAAGTCAACACTTTGCTGTGGCCATTTGT
CATCACAGTGGTTCAGAGTCTCAAAATCTGTTTCCCTGCTTTCTTCAATGAAACCAGT
GTTCTTTGGCTCTTCTTCGCCCTCTTATGTTTCTGGTGCAGTGCCATGGTAAACATATG
ACTTGGGTTCTTATTTATTGGGCAAGACTAAGGTGATTGCTGAGCAATAAATAGAGGAA
CACTGAGGTCTCAGCTCCAGAGTTTCTGATTCTGTCTTGGACAACAGAACAACCCACA
GGGACTGCCTCAACATGAAGCTGGTGTTCATTCTTGTGGTCACCATCCCCATTTGCT
>EP16048 (+) Gg ferritin H; range -499 to 100.

TAGGCAGTAAGGTGAGGAGCAGCCAGCACAGTGCAGTCTCTTCTTAGTGTTACAGTGA
GCGACTCGAGCACTTCCCACCAAGTCTGAGAGCTGCACGCTGCTTTTAGGGAACAAACG
CAACGCTCCCTCGTCTCAGGCCTACAGGCACGGTGTCCGTGAGGGGACACGCACGCACC
CCCAGATCCGTGGCTAGGCGGGGAGCACACACACAGCTGCGGCACGGCCTGGCCAGAAGT
GCTCTGCGGACGTCTCTCGGTCACTCCGCACCTCTCACTCCGCTTTCTGCGCACCGCCGC
TCTCGGCAGCAGGCGCCACNNNNNGCCCGCGGGAAGGGGCCGCGCCGCGGGGAGG
TGCTGAGTCACGGCGGTCCGGCAGCAGCCCGGCGGCAGCGCCCTTAGGCCACGCCCCCT
CCCCCCTCCCGTGAGGGCGCGCTCATACGCGGTGACGCTGCGGCGGTATAAAGCGGC
TGCGCGGCGCGGCTGCTCCAGAGCGCGTCCGCGAGGCTGAGCGGAGCGGGTTCTGCGT
CAACAGTGTGACGGAACCGCGCGCTCGGGCCCGCGCTCCCCGACCGCCACCG
>EP25047 (+) Mm ferritin H; range -499 to 100.

CCTCTGAGCTTCTCTCCACAGATTCTGAAGGAGGGAAAGCCGCTCTTTCCAGTCCAACT
TATATGTCGTTCCGCATTTACAGCGCCACGCTTCCATTTTCTATTTGTAAGACGAAGTC
GCTGTCTGGTGATGTACGACTAACAACACGCACCTTGCCTAGAGTTTAGGGATATCCT
GTGAGAATTGAAAATCATCCTCATCGGTACCCTCTGTGCCCATCTGGGACCCAGATGCCT
CTGCAGTACGGCTAGATCCAACTACGCCCGCCCCGGGCCACAGAAACAGCGCGCTTGTG
CCAGGCACCGCTCTTGCAAGCTCAGAGCCCCCTGCGTCGCCTCACACTCACACAGGCT
CCTCCCCGCCCGCGCTGCGGGTTTGGGCAACACGCCACAGGAAGAGCGGGGCGGCG
CGGCGCGTGCCTGATTGGCCAGCGCTCGCTGACGCAGGATCCCGCTATAAGTGCGGC
CGCTGTCCCCCTCTGCGCCAGAGCTTCTGCCCCAGAGTCGCCGCGGTTTCTGCTTCAA
CAGTGCTTGAACGGAACCCGCTGCTCGACCCCTCCGACCCCCGCGGCGCTTTCGAGCCT
>EP29014 (-) Rn ferritin H; range -499 to 100.

TCCCTACTCTCTTTGAGCTTCTCTCAGGGGTTCAAAGGAGAGAAAGCCGCTCCTTC
CCAGTCCAATTTATATGCCGTTCCGCATTTACAGCACTATGCTTCCATTTTCTATCTGT
AAGATGAAGTCACTGCCTGGTGATGTACGATTAACAACACGCACCTAGCCTAGAGTTT
AGGGATGTCCGGTGGGACTTAAAAATCAACCTTATCGATACTCTCTGGGACCCAGAATGC
CTCTGTAGTACGGCTGTTTCAACTACGTCCGCCCGGGCCACAGAAACGTCCCGCTTGT
TGCCAGGCACCGCTCTTGACAGAGCTCAGAGCCCCAAGAGTCGCCTACAATCACACAGG
CTCCTCCCCGCCACGCACCTGCTGGCTTGGGCAACACGCCTACAGGAAGAGGCGGGGCTG
GGCGGCCACCGCGCTGATTGGCCGAGCGCGCTGACGCAGGATCCCGCTATAAAGTGC
GGCCCGCTGGTCCCTACGCCAGACGTTCTCGCCAGAGTCGCCGCGGTTTCTGCTTCAA
CAGTGCTTGAACGGAACCCGCTGCTCGACCCCTCCGACCCCCGCGGCGCTTTCGAGCCT
>EP11112 (-) Hs ferritin H; range -499 to 100.

CGTCTCCACCTTCCACCTTCCCAATCATCTGCAGTTCCTCAATCTGCAGCAAGGTGTCAC
AAGGGCTTCTCCGAGCTATGATTTCTAACACCATGCCCGGGCCAGGAGCCTCAGGGTG
CCCGTTTCGGGAAAATGGGAGCGCAATCAGGATCACCCATGCGCCCCGACCCCTTCCCC
CGCCGTTTCCAACGCCCGGGCGCCCTAGACCGGGGGGGGTTCTGAGGTGGACTTCCT
GCGCCTCTCGAGCTTCCCTCCAATCCACTAAACGGGCACAGAGACGCCACCGCTGTC
CCAGAGGCAGTCGGCTACCGTCCCCGCTCCCGAGCTCCGCCAGAGCGCGGAGGGCCTC
CAGCGGCCGCCCTCCCCACAGCAGGGGCGGGTCCCGCGCCACCGGAAGGAGCGGGC
TCGGGGCGGGCGCGCTGATTGGCCGGGCGGGCTGACGCCGACGCGGCTATAAGAGAC
CACAAGCGACCCGAGGGCCAGAGCTTCTCGCCGAGAGTCGTGCGGGTTTCTGCTTCA
ACAGTGCTTGGACGGAACCCGCGCTCGTTCCCCACCCGCGGCGGCCATAGCCAGC
>EP25048 (+) Rn ferritin L; range -499 to 100.

TAGAACCTTTTGAATACCAGACTTCTCATGAAGTGAGACCCCTTCATCATTGGGTACATG
GAGGTTCTCTCTGCATTACAGACATTACCTTACATTCTGCACATCCCCAGACTTAGGTTT
TTAGGCGCCCAAACTGCCTTTTGTGGGACACCCCAAGGACCTCGAAGTCATCGCCTC
CCTGGGGTCTCAGTGACCCGGTGCCTTCAGTGACCCGGTGCCCTAGAATCCTACGACTCC
CCAGGATCCGCTGGGAATCCAGACCATCGCCCTCCCCAAGCCTCCATTTCAACAGG
CCTCGCGCCAAAGGCGCGTGACTTCAACTCATGGGACTGGGTGGGAGGGGCGCGAGGTTT
CCCTCAGCTCGGGATTGGTCAGGTATACTTTTACGTCCCACTCACGCCACCGCCGATT

[illegible]

[illegible]

GGGCGCGGAGCGGCCAGCGCGGGAGGGACTCTGCTTCGCGGAGCGTGGCTCGGCGGGGC
CGGGTCCAGGGCAGACGCCGCGAGGGCGCCCCAGCGGTGGCCGCCGCCCGCGCCCGCG
CGCCGGCCAATGAGCGGGGGCCCCGTGGGCGTGCCCGCAGCACCTCGGGCTTAAAGCGC
CGCGCAGTCTGGGCTCCGACACTTCTGGTCCAGTCCGATGAGAAGGAACCACCATGGT
GTGTCTCCCGCTGACAAGCAACATCAAGACTGCTGGGAAGAATCGGCAGCCACGG
>EP11097 (-)Ec a'-globin; range -499 to 100.

>EP11097 (-) Ec a'-globin; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NN
NNCCACCAGCAGCGAAGTCCCACAGCTCTC
GTTGGCGCAGAACCCGCCGGCGTCTCCTGCGGTTGCGGC GCCGCCGCGCGCCCCGCTCC
TCGCCAGCCAATGAGCGCGCGCCGGCGGGCGTGCCCCCGCGCCCGACTATAAAGCTG
CGCGCTCGGCCCGCGCGTACGTGCTGTCGCGTGCTGTGCTAGCACAGACTCAGAAA
CAGTCACCATGTGTGTCTGCCGCCACAAGCAACGTCAAGGCCGCTGGAGTAAGG
>EP17053 (-) Pa a'-globin; range -499 to 100.

>EP17053 (-) Pa a'-globin; range -499 to 100.

[illegible]

>EP53001 (-) Hs a'2-globin; range -499 to 100.

GGTGC GCGCATTCTCTCCGCCCCAGGATTGGGCGAAGCCTCCCGGCTCGACTCGCTCG
CCCGTGTGTTCCCGATCCCGCTGGAGTCGATGCGCGTCCAGCGCGTGCCAGGCCGGGGC
GGGGGTGCGGGCTGACTTTCTCCTCGCTAGGGACGCTCCGGCGCCGAAAGGAAAGGTT
GGCGCTGCGCTCCGGGGTGACAGAGCCGACAGCGCCGACCCCAACGGGCGGGCCCCGCC
AGCGCCGCTACCGCCCTGCCCCCGGGCGAGCGGGATGGGCGGGAGTGGAGTGGCGGGTGG
AGGGTGGAGACGTCTTGCCCCCGCCCCGCGTGCACCCCAGGGGAGGCCGAGCCCCCG
CCCGGCCCGCGCAGGCCCGCCGGGACTCCCCTGCGGTCCAGGCCGCGCCCCGGGCTC
CGCGCAGCCAATGAGCGCCGCCCGGCCGGGCTGCCCCGCGCCCCAAGCATAAACCTT
GGCGCGCTCGCGGCCCGGCACTTTCTGGTCCCCACAGACTCAGAGAGCAACCCACCATGG
TGCTGTCTCCTGCCGACAAGACCAACGTCAAGGCCGCTGGGGTAAGGTGCGCGCGCAGC
>EP07071 (-) Hs a'1-globin; range -499 to 100.

>EP07071 (-) Hs a'1-globin; range -499 to 100.

GGTGC GCGCATTCTCTCCGCC CAGGATTGGGCGAAGCCCTCCGGCTCGCACTCGCTCG
CCCGTGTGTTCCCGATCCCGCTGGAGTCGATGCGCGTCCAGCGCGTGCCAGGCCGGGGC
GGGGGTGCGGGCTGACTTTCTCCCTCGCTAGGGACGCTCCGGCGCCGAAAGGAAAGGCT
GGCGCTGCGCTCCGGGGTGACAGAGCCGACAGCGCCGACCCCAACGGGCGGGCCCCGCC
AGCGCCGCTACCGCCCTGCCCCCGGGCGAGCGGGATGGGCGGGAGTGGAAGTGCGGGTG
AGGGTGAGACGTCTTGCCCCCGCCCGCTGCACCCCAAGGGGAGGCCGAGCCCGCCG
CCCGGCCCGCGCAGGCCCGCCGGGACTCCCTGCGGTCCAGGCCGCGCCCCGGGCTC
CGCGCAGCCATGAGCGCCGCCCGGGCTGCCCCGCGCCCCAAGCATAAAACCT
GGCGCGCTGCGGGCGGCACTCTTCTGGTCCCCACAGACTCAGAGAAACCCACCATGG
TGCTGTCTCTGCGACAAAGACCAACGTCAAGGCCGCTGGGGTAAGGTGCGCGCGACG
>EP14042 (-) Mm z'-globin; range -499 to 100.

>EP14042 (-) Mm z'-globin; range -499 to 100.

ACTGTGCATTTTCATTGTATATTGGTTGGTATGGAGGGCTAGCTGGAGACTGGAGATCTTT
TGTTGACCCGTTACTCCTCCTAGTGAGAGCAGACTTCCATGATCTTCCCTCAGTGCTAAG
TGAGAGGAATTACTGCTTCCTTGGAGGGAACCCAAGAGTCACTGACATTAGGTGACAGGG
ATGGCTCAGACAATTTGTGATTCTGAAATGAGAAAGGACAGTGCAGGTCTGGATACAAGA
ATGACCTCCTGACATGGCTGGGCCCCATCTCTCCTGGATTCTGTGTGGGACTAAGGCCA
ACACCCCTCCTAAGGCCATGGGCAGTGGGCAAGAGCGATAGCACTTGCCCTTACAGTCCC
ACCAAGCCCTAATTCCTATTGTTGCTGGCTCTGATAACAGGCTCCACCTGCAAGCCCCC
TCCCCTCTCCTAACCAGTGGCCACAGCCTGACAGGTCCTTGACCATGTGTATATAAAGGA
GACACTGGGGACAAGCACCATCAGGCGAGTCTTGAGTGCACTCAACTCCAGCGCAGCCTC
CAACCTCACCACCACCACCATGTCTCTGATGAAGAATGAGAGGACTATCATCATGT
>EP24035 (-) Ch z'-globin; range -499 to 100.

>EP24035 (-) Ch z'-globin; range -499 to 100.

[illegible]

ATATAAATTTTATAAAGAGAGAGAGTGTAGTAAACATTTTTATCAGAAAACAGTGGCAGAG
TAAATTCCTTCATACTTACAAAAGAGTGCTACTATGCGCAACATTAACCTGACATTTTTG
AATTGTACCTAATGCAATTCATGATATTTAAATTGAATACATTAATTTTTAATTATTTAAT

TGTCCTGAAATCTCTACAGGTTCAAAAAATAATTCATTATTACATTATTTTGTACA
CTTAATTATCTACTGTTAAGTGTCACAATTGCCCTCATTTGATGTGGGTTTAAGTTTCAT
GTTGTTATAAAGAATCAACTTTACAATTTAAGAACTATATGGCATTCCACATATACAAAA
GATATATTAGCTTAAGGTTAAAAATTTATTTTGAAGGCAATAGGGTGGGGTGGAGGAAAA
AAAATATGACACAGCAGAAATGCACAATGGGTGTGACTCAGCATGGCCATATAAAGCAAG
GCCAACAACTCAAAGGAACAGCNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP25024 (+) Xl b'II-globin larva; range -499 to 100.

CCTATGCCTAACTGGAATAACAGTCAAGGAAATTTAATGGAATAATAGGTATTTTCGGAGC
TTTCCATTTATTAACCTACAAACAAGTGTGTTGTTTCAGGAAACAGCAGTAGTTCTA
TTTGGCTTACATCTTGAACAAAAGCAAAGTTGCTATAGTTTTCTTTTTCTGTGAAGGAAA
GAAATGACTTGTGTCTTTATCTCTACATTAATAATGTATCTGCCACACAGAATACTTCT
TTTTTTAACTTATCTATAGATAACGTATGTGCACCCAAATTGTAGCTGTGTTACATCAGC
ATAATTAAGTGCACACATGAAGAAAAAATGACAGATTGACAAAATGTTATATTATATG
GTAAGGTCTCTTGGATAATAGCCCTTATCAGTCATAACTGGTTACAAATACAGAAAAAT
GAGGTGACACAGCATAAATGATATGAATACGTCACTAATTACACCCCTATAAATCACAA
GGTTAAATATTTTTTTTTNN
NN

>EP07075 (+) Gg b'-globin; range -499 to 100.
ATGCTCAATAAACCGATGGTAAAGGACAAGGAGAACCCTCTGGAAGGCCCTTCAGGA
AGAGGAAGAGAGAGAACCACATGCACGCAGCTGGTGTGATGGGAGGACGGACCCAACAG
ACCCAAGCTGTGGTCTCTGCCTCACAGCAATGCAGAGTGTGTGTTTGGAACTGTGTG
AGGGGCACCCAGCCTGGCGCGCTGTGCTCACAGCACTGGGTGAGCACAGGTGCCAT
GCCACACCGTGCATGGGGATGTATGGCGCACTCCGGTATAGAGCTGCAGAGCTGGGAAT
CGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGTGGTGGTGTGGCCACGGATCTGGGCACCTTGCCCTGAG
CCCCACCCTGATGCCGCGTTCCTCCCGGGGTGCCAAGGCTGGGGGCCCTCTGGAGA
TGCAGCAATTGCGGGGTGCCGGGGAAGAGGAGGGGCCGGCGGAGCGGATAAAAGTGG
GGACACAGACGGCCGCTCACCAGCGTGCTATCCCCACGGGAGCAAGAGCCAGACCTCCT
CCGTACCGACAGCCACACGCTACCCTCCAAGTGCACCATGGTGCCTGGACTGCTGAGG
>EP30080 (-) Ap b'-globin; range -499 to 100.

AAAATGATAAATAGCTGATTGCTAAGAACAGATAGAAAAGAACAAGGAGAACCCAAGGAT
ATTAGGCCCTGCAAGAAGAGGACAACTGCTTGCACAGAGCTGGTGCCTTCAGAGCCAGG
ACCCAGCAGCCCAAGTCTGCTCTTCTTGCCTGCGTGGCAGACACCCGCTGTGGTTGCA
CCATCCAAGGACACCGAGCTGGCAGACACCTTCTCCAGGGCTTCGGGGGACTCGC
ACGGTGTGAGCTCAGACTTTGCGTGGAGATAAATGCTGCCCTCCTGCAGGGAGCTGCAG
CACTGGAAATCAAAGACGGGGGGCAGGGTGGTGGCAGATCTGGGCACTGTGCCCTGGGGC
CCCACCCTGACACCGCTCCCTCCCTTGGGGTGCCAGGTCTGGGGGGGCCCTCCCGGG
ACCCAGCCAATGGAGGGGTGCAGGGGAAGAGGAGGGGCCCTGCGGAGGCTATAAAAGTG
GGGTGCGGATAGCCGCTGCCAGCGTGCATCCCCGCGGAGCAAGAGCCGAGACCTCCT
CCGTACCTGCAGCCACACGCTACCCTCCGCCCAGACCATGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP30081 (-) Cm b'-globin; range -499 to 100.

AAATGATAAATAGCTGATTGCTAAGAACAGATAGAAAAGAACAAGGAGAACCCAAGGATA
TTAGGCCCTGCAAGAAGAGGACAACTGCTTGCACAGAGCTGGTGCCTTCAGAGCCAGGA
CCCAGCAGCCCCAGGCTTGTCTTCTTGCCTTGCCTGGCAGACACACCGCTGTGGTTGCA
CCATCCAAGGACACCGAGCTGGCAGACACCTTCTCCAGGGCTTCGGGGGACTCGC
ACGGTGTGAGCTCAGACTTTGCGTGGAGATAAATGCTGCCCTCCCGCAGGGAGCTGCAG
CGCTGGAAATCAAAGACGGGGGGCAGGGTGGTGGCGGACCTGGGCACCGTGCCTGGGGC
CCCACCCTGACACCGCTCCCTCCCTTGGGGTGCCAGGTCTGGGGGGGCCCTCCCGGG
ACCCAGCCAATGGAGGGGTGCAGGGGAAGAGGAGGGGCCCTGCGGAGGCTATAAAAGTG
GGGTGCGGACAGCCGCTCGCCAGCGTGCATCCCCGCGGAGCAAGAGCCGAGACCTCCT
CCGTACCTGCAGCCACACGCTACCCTCCGCCCAGACCATGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP30082 (-) Gg r'-globin; range -499 to 100.

CAAACCAATAACTCTATGGTGTCTATGATTCTATGATCCAGAGTTGCATAGCTGCAGCCA
GGGACGAGAGCCCTCAGCATCCCCGGGCAGCTGCTCTGAGCAGAAGGGTGAGGGAAGTGC
CCATTGCCACCTGTCTGAGAAATACCCCTCAGCTTTAGGGAGACTACGAATGCTGCAGAG
GAGCCAACATTTGGGGCGTGCAGGCGTGAAGCCATTTGAATGCATCACCCAGAGGGGGG
GGTTTGGTGCCTTCTGCAGGGGTGCTCTGTGCAAGGCTGCAGTGAGGACAGCAAGATAAG
GGCTGCTGTGTCCGGAGCCGCTGTTAAGCTGGTCACTGTCTTGTGATGGAAGACCACAC
CTTGTGCACACTGACCACCCCATGGCGCGGAANCCCCCGCACGAACCCCAACCCGTCCC
AGCCAATGACCCACAGCGCGGGGTGGGGAGGAGCTGTGAGCGGTGGATAAAAGCCCCCG
GGGTCCGAGCTCAGCTCCAAGCTCTGAGTGTCTCCACAGCCGACGCCAACCCCGTGC
CACCATGGTGCCTGGTCCGCGGAGGAGAAGCAGCTCATCACCAGCGTCTGGAGCAAAGT
>EP07076 (+) Gg e'-globin; range -499 to 100.

TCCCATACATGTGCTGCAATGGAGGCTGGCTCTTGGTTGGATATCAGGAAGAACTTCTT
TACAGGAAGGGCTGTTAAGCACTGGAATGGGCTGCCAGGGAGTTGGTTGAGTCACCAAC

GATTTACTCCAAGCAGAAGAAAGTCGTACTTATAACTATGGCACAGGTTTCATCCATTCTGTTTTTGTAAATTATTTTGGATATTCTGAAGACATAAAGAGAGACCTATCTATCTATCTATCTATTTAACTGGATTTCACACACAAATCTTCTCCTTTTTCTGTGCCTTATATCCTCATTTGTATGATAAATAATTGCAGAGGAAATTTTTCATAGGCTTACCAGGCTGTAATAACAAAATTATATAAAATAAATTTGGCAAGAAAAGTGTTTTCAGTAGCAATTAGTACTGCTCGTATGGATCTGGGGGATACATAGAAGGAGGGCTGAGTCTGTCTCAGACTCCTAAGCCATTGCCAGAACTGCCAAGGACAGGGTGCTGTCTACCCAGATCTCACCTGCAGAGCCACACCCTGCGTTGGCCAATCTACATGCAGGGTAGGGATTACATAGTTTCAGGACTTGGGCATAAAAGGCAGAGCAGGGGCAGCTGCCGCTTACACTTGCTTTTGACACGACTGTGTTTCTTGAATCCCCCTAAAACAGACAGAATGGTGTCATCTGTCCGGTAGGAGAAAGTCTGCGGTCACTGCCCTGTGGEP07073 (-) Oc b'1-globin; range -499 to 100.

ATCCAAATCAGGAGAAGATATGCTTAGAACTGAGGTAGAGTTTTTCATCCATTCTGTCCTG
TAAGTATTTTGCATATTCTGGAGACACAGGAAGAGATCCATCTACACATCCCAAAGCTGA
ATTATGGTAGACAAAACCTCTTCCACTTTTAGTGCATCAATTTCTATTTGTGTAATAAGA
AAATTGGGAAAACGATCTTCAATATGCTTACCAAGCTGTGATTCCAAATATTACGTA AAC
ACACTTGCAAAGGAGGATGTTTTTAGTAGCAATTTGTACTGATGGTGTGGGGCCAAAGAGA
TATATCTTAGAGGGAGGGCTGAGGGTTTGAAGTCCAACCTCTAAGCCAGTGCCAGAAGAG
CCAAGGACAGGTATGGCTGTCATCACTTAGACCTCACCTGTGGAGCCACACCTTAGGGT
TGGCCAATCTACTCCCAGGAGCAGGGAGGGCAGGAGCCAGGGCTGGGCATAAAAGTCAGG
GCAGAGCCATCTATTGCTTACATTTGCTTCTGACACAACTGTGTTCTACTAGCAACCTCAA
ACAGACACCATGGTGCACCTGACTCTGAGGAGAAGTCTGCCTTACTGCCCTGTGGGC
>EP11104 (+)Hs b'-globin; range -499 to 100.

CTAACTGAAAGAGACTAAGATTGTCCCGTCAAAAATCCTGGACCTATGCCTAAAAACACA
TTTCACAATCCCTGAAC TTTTCAAAAATTGGTACATGCTTTAGCTTTAAACTACAGGCCT
CACTGGAGCTACAGACAAGAAGGTAAAAAAGGCTGACAAAAGAAGTCCTGGTATCCTCTA
TGATGGGAGAAGGAACTAGCTGAAGGGAAGAATAAATTAGAGAAAAACTGGAATGACTG
AATCGGAACAAGGCAAAGGCTATAAAAAAAATTAAGCAGCAGTATCTTCTTGGGGGCCCT
TTCCCCACACTATCTCAATGCAAATATCTGTCTGAAACGGTCCCTGGCTGAAC TCCACCC
ATGGGTTGGCCAGCCTTGCTTGACCAATAGCCTTGACAAGGCAAAC TTGACCAATAGTC
TTAGAGTATCCAGTGAGGCCAGGGGCCGGCGCTGGCTAGGGATGAAGAATAAAAGGAAG
CACCCTCCAGCAGTTCACACACTCGCTTCTGGAACGTCTGAGGTTATCAATAAGCTCCT
AGTGCAGACGCCATGGGTCA TTTTACAGAGGAGGACAAGGCTACTATCACAAGCCTGTGG

>EP14046 (-) Pt ^Ag'-globin; range -499 to 100.

CTTACTAAATGAGACTAAGACGTGTCCCATCAAAAATCCTGGACCTATGCCTAAAACACA
TTTCACAATCCCTGAACCTTTGCAAAAATTGGTACATGCTTTAACTTTAACTACAGGCCT
CACTGGAGCTACAGACAAGAAGGTAAAAAAGGCTGACAAAAGAAGTCCTGGTATCTTCTA
TGGTGGGAGAAGAAAAGTAAAGGGGAAGAATAAATTAGAGAAAAATTGGAATGACTG
AATCGGAACAAGGCAAAGGCTATAAAAAAATTAAGCAGCAGTATCTTCTGGGGGCCCC
TTCCCCACACTATCTCAATGCAAATATCTGTCTGAAACGGTCCCTGGCTAACTCCACCC
ATGGGTTGGCCAGCCTTGCCCTTGACCAATAGCCTTGACAAGGCAGACTTGACCAATAGTC
TTAGAGTATCCAGTGAGGCCAGGGGCCGGCGGCTGGCTAGGGATGAAGAATAAAAGGAAG
CACCTCCAGCAGTTCCACACACTCGCTTCTGGAACGTCTGAGGTTATCAATAAGCTCCT
AGTCCAGACGCCATGGGTCAATTTACAGAGGAGGACAAGGCTACTATCACAAGCCTGTGG

>EP17056 (-) Pt ^Gg'-globin; range -499 to 100.

CTTACTAAATGAGACTAAGACGTGTCCCATCAAAAATCCTGGACCTATGCCTAAAACACA
TTTCACAATCCCTGAACCTTTGCAAAAATTGGTACATGCTTTAACTTTAACTACAGGCCT
CACTGGAGCTACAGACAAGAAGGTAAAAAAGGCTGACAAAAGAAGTCCTGGTATCTTCTA
TGGTGGGAGAAGAAAAGTAAAGGGGAAGAATAAATTAGAGAAAAATTGGAATGACTG
AATCGGAACAAGGCAAAGGCTATAAAAAAATTAAGCAGCAGTATCTTCTGGGGGCCCC
TTCCCCACACTATCTCAATGCAAATATCTGTCTGAAACGGTCCCTGGCTAACTCCACCC
ATGGGTTGGCCAGCCTTGCCCTTGACCAATAGCCTTGACAAGGCAGACTTGACCAATAGTC
TTAGAGTATCCAGTGAGGCCAGGGGCCGGCGGCTGGCTAGGGATGAAGAATAAAAGGAAG
CACCTCCAGCAGTTCCACACACTCGCTTCTGGAACGTCTGAGGTTATCAATAAGCTCCT
AGTCCAGACGCCATGGGTCAATTTACAGAGGAGGACAAGGCTACTATCACAAGCCTGTGG

>EP07077 (-) Hs ^Ag'-globin; range -499 to 100.

TAACTGAAAGAGACTAAGATTTGTCCCGTCAAAAATCCTGGACCTATGCCTAAAACACAT
TTCACAATCCCTGAACCTTTTCAAAAATTGGTACATGCTTTAGCTTTAACTACAGGCCTC
ACTGGAGCTACAGACAAGAAGGTAAAAAAGGCTGACAAAAGAAGTCCTGGTATCTCTA
TGATGGGAGAAGGAAAAGTAAAGGGGAAGAATAAATTAGAGAAAAACTGGAATGACTG
AATCGGAACAAGGCAAAGGCTATAAAAAAATTAAGCAGCAGTATCTCTTGGGGGCCCC
TTCCCCACACTATCTCAATGCAAATATCTGTCTGAAACGGTCCCTGGCTAACTCCACCC
ATGGGTTGGCCAGCCTTGCCCTTGACCAATAGCCTTGACAAGGCAGACTTGACCAATAGTC
TTAGAGTATCCAGTGAGGCCAGGGGCCGGCGGCTGGCTAGGGATGAAGAATAAAAGGAAG
CACCTTTCAGCAGTTCCACACACTCGCTTCTGGAACGTCTGAGATTATCAATAAGCTCCT
AGTCCAGACGCCATGGGTCAATTTACAGAGGAGGACAAGGCTACTATCACAAGCCTGTGG

>EP11107 (-) Hs ^Gg'-globin; range -499 to 100.

TTACTAAATGAGACTAAGACGTGTCCCATCAAAAATCCTGGACCTATGCCTAAAACACAT
TTCACAATCCCTGAACCTTTTCAAAAATTGGTACATGCTTTAACTTTAACTACAGGCCTC
ACTGGAGCTACAGACAAGAAGGTGAAAAACGGCTGACAAAAGAAGTCCTGGTATCTTCTA
TGGTGGGAGAAGAAAAGTAAAGGGGAAGAATAAATTAGAGAAAAATTGGAATGACTG
AATCGGAACAAGGCAAAGGCTATAAAAAAATTAAGCAGCAGTATCTCTTGGGGGCCCC
TTCCCCACACTATCTCAATGCAAATATCTGTCTGAAACGGTCCCTGGCTAACTCCACCC
ATGGGTTGGCCAGCCTTGCCCTTGACCAATAGCCTTGACAAGGCAGACTTGACCAATAGTC
TTAGAGTATCCAGTGAGGCCAGGGGCCGGCGGCTGGCTAGGGATGAAGAATAAAAGGAAG
CACCTTTCAGCAGTTCCACACACTCGCTTCTGGAACGTCTGAGGTTATCAATAAGCTCCT
AGTCCAGACGCCATGGGTCAATTTACAGAGGAGGACAAGGCTACTATCACAAGCCTGTGG

>EP07074 (+) Oc b'3-globin; range -499 to 100.

TCCCCTGGCCATTCTTAAGTGAATGAGATTTATACTTGTCTCATCAGAAATCTTGGATCT
GTGCCCCAAATATCTGAATACTTTTCATATGTTTGCTTATGCTTTAGCTATAATTTGCA
GGCATCTATGGTGTAGTACTAAATATAGGAAATGCTGGCAAAAAAGTCCTAGACTA
TTTAATGGTGAGGAAACAAGAAAAATAGCTAAATAGAAAAATAAATGGGAGAACTTTTA
AAAAAATGAATTGAAAAGGGACGAGACTAACAAAACCTGAGGAGCAGAGCCCCCTGAGG
GGGCTCTCTGCCACTATCTCAATATATAGTCTGTGTGAAGCTTCTCTGCCTAAACCTCA
CCCCTGCGCTGACCAGCCTTGCCCTTGACCAATAGTCGTTACACAAAAACACTGACCAATA
GCCTCAGAGAACACGGCGAAACAAGGGGCCAGATGTCCAGCGAGGAAGAATAAAAGGACG
AGCCTTAGAGCAGTTTCACATACTTGCTTCTGAGACATCTGAGACTATCAGCAAGCTCAG
CGAGCTCCTAGACCAGACATCATGGTTCAATTTACGGCTGAGGAAAAGGCTGCTATCACA

>EP11108 (-) Ch e'-I globin; range -499 to 100.

NN
NNNNNNNNNNNNNNNNATCCTGAGCATGTTTTGTCCCTGTCAACCATCTACAATCCTTAA
CTAATACTAAAAATGGTTTGAATAGAATCCTTCTAGTCTGATGCTTAGCTACACTCCAT
GGATCATTCTGGAAGAAGGAGAATGGGAGAGATGGATGCCATCGTGGAGGATGAGAGGGG
AAGAACAGAGGGTGAAATGGGGAATGAGTGGAAAATAATGTTGAGGATACAGGAGGACC
TAACAAACGAAAGATGTCTCAGGAACCAACAGGTTATCATACACTCAATATACATCTCCT
TGCTGACCATCAGCTGACCTGACTCCACCCCTGAGGGACACAGCCTAACCTTGACCAATG
ACTTCAAAGGACAAGGGGGAGCAAGGGGGCAGAAGTTCAGCAGTAAAGAATAAAAGGCCA
CAGCATCCAGCAGCAGCAGACTTGCTTCTGATGCTTCTGTGATCACCTGTAAGCTCCA

CGACTTGACATCATGGTGCATTTTACTGCCGAGGAGAAGGCTGCTATCACTGGCCTGTGG
>EP11109 (-) Ch e'-II globin; range -499 to 100.

NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNAAGCTTAGAAGCATTGGTAAGCTCAGGAAGAGCTGTGGCTTCTC
CTATGCAATATACGCTGGCCAAACGGCGAACAGTGTCTTGTAACACCTGACTCAATGCT
CAACAGAGTTCTAGATGTTGCTCTTCTAAGTCTAGCTATGCTTCATGGTCAGCCTACTG
GTCACTTCAGGAAGGGTGGCGGGGACCTTGAGATTTGAATTGCACAGTGGAGGGTAGGGG
GGACGACTGCAGAGTATCCCTGATAGAGCCACCAACACTATCAGAGACACAAATGTCCAT
CTTGCTGACCCACCCTTGCCCAAGTTCCACCCCTGGCAGTGACCACCTAGCTTTGACCAA
TAGTCTCATTTTTATTGGGGGAAGGAAGGGCCTGGGGCAGCAGATGAGGAATAAAAGGCCA
TGCACTGAAGCAGCGGCACAGACTTGCTTCTGGCCCATTATGGATCACCAGTAAGCTCCC
AGACACCATGGTGCATTTTACTACCGAGGAGAAGGCTGCTGTTGCTAGTCTGTGGGCCAA
>EP17057 (-) Pp e'-globin; range -499 to 100.

AACTAAGGTACAGAAGTTTTGTTTACAATGCACTCCTTAAGAGAGCTAGAACTGGGTGAG
ATTCTGTTTTAACAGCTTTATTTTCTTTTCTTGGCCCTGTTTTTGTCACTGTCACCACC
TTTAAGGCAAATATTAATGCGCTTTGGCTGAAACTTTTTTCTATTTTGAGATTTGCT
CCTTTATGAGGCTTTCTTGAAAAGGAGAATGGGAGAGATGGATATCATTTTGGAAGA
TGATGAAGAGGGTAAAAAAGGGGACAAATGGAAATTTGTATTGCAGATAGATGAGGAGCC
AACAAAATAGGGCCTTAGGATCCAGCACACATTATCACAACTTAGTGTCATCCATCAC
TGCTGACCCTCTCCAGACCTGACTCCACCCCTGAAGGACACAGGTCAGCCTTGACCAATG
ACTTTTAAATACCATGGAGAACAGGGGGCCAGAACTTCGGCAGTGAAGAATAAAAGGCCA
CACAGAGAGGCAGCAGCACATATCTGCTTCCGACACAGCTGCAATCACCAGCAAACCTC
AGGCCTGGCATCATGGTGCATTTTACTGCTGAGGAGAAGGCTGCCGTCACTAGCCTGTGG
>EP11110 (-) Hs e'-globin; range -499 to 100.

AACTAAGGTACAGAAGTTTTGTTTACAATGCACTCCTTAAGAGAGCTAGAACTGGGTGAG
ATTCTGTTTTAACAGCTTTATTTTCTTTTCTTGGCCCTGTTTTTGTCACTGTCACCACC
TTTAAGGCAAATGTTAAATGCGCTTTGGCTGAAACTTTTTTCTATTTTGAGATTTGCT
CCTTTATATGAGGCTTTCTTGAAAAGGAGAATGGGAGAGATGGATATCATTTTGGAAGA
TGATGAAGAGGGTAAAAAAGGGGACAAATGGAAATTTGTGTTGCAGATAGATGAGGAGCC
AACAAAAAAGAGCCTCAGGATCCAGCACACATTATCACAACTTAGTGTCATCCATCAC
TGCTGACCCTCTCCGGACCTGACTCCACCCCTGAGGGACACAGGTCAGCCTTGACCAATG
ACTTTTAAAGTACCATGGAGAACAGGGGGCCAGAACTTCGGCAGTAAAGAATAAAAGGCCA
GACAGAGAGGCAGCAGCACATATCTGCTTCCGACACAGCTGCAATCACTAGCAAGCTCTC
AGGCCTGGCATCATGGTGCATTTTACTGCTGAGGAGAAGGCTGCCGTCACTAGCCTGTGG
>EP39003 (+) Mm GLUT1; range -499 to 100.

CCAGACCTCCCGTGGTCTCTCTAATGAACCTAATGCCACTTTACACATAACACACGCGGT
TGTAACACCATCCAAATACTAAGTCTGTTTAACTCTTCTAATAACCCAGGAGGTTGTACT
ATTATTATGACTAGTCTACCAAAGTTATCCGGCAGCCTAGTGAGGAAGCCAGAGTCCTAG
CGCTGGCTTACAGCCCCGACCAAGCGCTACCATTTTGCTAGTGGCCATTGAGACTCAGA
GAGGTGTGCAAACAGCTCAGAGCCACACAGCGAGCGCCCCAACGGGTGCCCCGCACAC
CCTGGGACTGCAGGTTCTAGCATCCAGAGCCAGACTGTGGTCAGTAGCCCTCCGTCCCTC
CCCACCTCCCCACAGAACCACGCCTCTCAGAGTCCCGCCCCGGACGTGCTCCCCAGGCC
CGCCCCCTTCGGGCCCCACCTACACCCACAGAACCAATGGCGGCGGTCTATAAAAAGGCAG
CTCCGCGCGCTCTCCCCAAGAGCAGAGGCTTGCTTGTAGAGTGACGATCTGAGCTACGG
GGTCTTAAGTGCCTCAGGGCGTGAGGTCTGGCGGGAGACGCATAGTTACAGCGCGTCCG
>EP25042 (+) Mm P1; range -499 to 100.

ACATTGTTTCAGGCTGACTGTCACTGTCTTAGACCCTAGGGGCCAGCTCTCAGGAGCCAG
TGGGGTCTTTGGGAGAGGGTAGCTAAAGTCCTCTAGTTAGGGGCAAGAAGAAGAGAGGAC
TAATGGGGTCTCACAAGCACAGGCAGGTCCTTGGGAGGCTGTCAAGGAAAAGACAGTC
TTGAGGGAAGACAAATGGTAGGAGAGAGAAGATGTCTTGAGACTTGGGGCCAGAGAAGACC
TGCCCATAGTGAAAGTGGTGACAGAGGCCAGGCAGACATGTCCAGGGGTCACTGCCCTC
CTACCAGAGACCTGGAAGTTCTGAGAACTGAGCAGTCAAGCCTTAGTTTCAAAAGGCAGA
TCGGAGAAATCCCCAGGGGCTGAAGGGCCCAAAGACCTTAGGGACTGGACAGGGTGGGT
GGGGTGGGCCTGATGCACAGCTGTCCAGATGTGGGTGAGAGATAACTCTGTTTATGGGGC
ACCCGGTTCGGAGCAGGGCAAGGGGTGGGGTGGGAAGGGGCTCCCGGCTGTGGGACGGGC
AGATTAGGAGGCAGGGCATGAGTCAGGGGTTTGGGAGCCTCCCCAGGGCACCTGCCTGT
>EP25043 (+) Mm P2; range -499 to 100.

GAGAGGACTAATGGGGTCTACAAGCACCAGGCAGGTCCCCTGGGAGGCTGTCAAGGAAA
AGACAGTCTTGAGGGAAGACAATGGTAGGAGAGAGAAGATGTCTTGAGACTTGGGGCCAG
AGAAGACCTGGCCATAGTGAAGAGTGGTGACAGAGGCCAGGCAGACATGTCCAGGGGTCA
GTGCCCTCTACAGAGACCTGGAAGTTCTGAGAACTGAGCAGTCAAGCCTTAGTTTCA
AAGGCAGATCGGAGAAATCCCCAGGGGCTGAAGGGCCCAAAGACCTTAGGGACTGGACA
GGGTGGGTGGGGTGGGCCTGATGCACAGCTGTCCAGATGTGGGTGAGAGATAACTCTGTT
TATGGGGCACCCGTCGGAGCAGGGCAAGGGGTGGGGTGGGAAGGGGCTCCCGGCTGTG
GGACGGGCAGATTAGGAGGCAGGGCATGAGTCAGGGGTTTGGGAGCCTCCCCAGGGCAC

CTGCCTGTGCTGTTAGAGCAGTTGGGAGCTCAGCCAGTCACAGAGGGCACCAAGTGGCGGC
AGGCAGGACTTCCCGAAGGACCCCCAGGCTCCTGAGCAGGTGGGCAGGGCAGGGGGGTG
>EP40005 (+) Hs Na/H exch. NHE-1; range -499 to 100.
TCACCTGTTTCCTCATCTGTAAGTGAATTGTAATAATGTGCCAGGGTGCATTCCAAA
TAGTTTACACGGATTGTCTCAGTCATTACATCATCCCTCTGACATAGTCACTATTACTG
TCTCTACTTAACAGATGAGAAAGTTGTGAAACAGGTTAAGTAAGTTGCTCAAGGTCACAC
GGTAACTAAATACATAAACTAATAATACATTCTTCACAGGATTATTCGAAAGCCCTTATG
AGACTGCAGATGTGGAACGTGAAATCGTTGTAAGTAGTCGCCATTTTACTCGCGTTAGTG
AGGTTCTCTGTATATTCAGGACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATCTCTGACTCTC
CTTCCTTCTTCTACGCATCTCTTCCCTTCCGCGACAGGGGCCGCTGCGCTGGGCGGG
TGCCGACGGTCTCTCTAGCCCCGCCGACCGGCTGCTCGCTGGTGCCTATAAGTGACAGCG
CCGGGCTCAGCTAGGCTTCAGTCTGCTGCGGCCGGGGCCGGGGCTAGGGTTAGTTCTGGA
GCTGGACNN
>EP35017 (-) Mm P-glycoprotein 1a; range -499 to 100.
AATCTACCTGAGGAAGTGTGAAGTATATTGAAGAAAAGCCCTGCACGGGGGTTCTCTTA
CCTTTTCAAGAGTGCTTCAAAGAAGGGAAATTTACTGACAGGCAAGGTCTGTACCCATTG
TTTAATTGTCTGTTAGATTGATGATAGAATACGTCTTTTAACTTAGCCAAATGCAGAA
GGCCAAGTGCTATCTACAAACACATAAAGTCTATATATAGACATGTGCATGGCCGTGTAG
AGATGAGACTCTTGCAAGTGTGTCTCTAATGATTGCGGGATATGAGTTTGTCTAATTGAC
CTTTGAGAGGGGAAACCAGACTGCACATTTCTACAAATCCAACCTGTTTCGCAATTT
CTCCAGCAATAATACTTGAGTCAAGCTGGGCCGGGAGCTGGTTAACCTCCAGGTCAAAC
CACTGGCTGGGCGGGACTGCGCTGGGCGTAGATTGAGCATGCTAAATTTACTCTCCTGT
CCACAGAAAGCCAGGCACAGTGAACAGCGGTTTCCAGGAGCTGCTGGTCCCCTCTTCC
AAGGCTCTGCTCAACTCAGAGCCGCTTCTTCAAAGTCTACATCTTGGTGGACTTTGCAG
>EP35012 (+) Hs P-glycoprotein 1; range -499 to 100.
TATCATCAAATAAAGGATGAACAGATGTAAGTCAAGAACTGTCAAGCATGCTGAAGAAAG
ACCACTGCAGAAAAATTTCTCTAGCCTTTTCAAAGGTGTTAGGAAGCAGAAAGGTGATA
CAGAATTGGAGAGGTGCGAGTTTTTGTATTAAGTGTATTAATGCGAATCCCGAGAAAAAT
TTCCCTTAACACGTCCTGTAGTTATATGGATATGAAGACTTATGTGAAGTTTGAAGAC
GTGTCTACATAAGTTGAAATGTCCCCAATGATTGAGTGTGCGGCTTCTCTACTTGCC
CTTTCTAGAGAGGTGCAACGGAAGCCAGAACATTCTCTGGAATTCACCTGTTTCGC
AGTTTCTCGAGGAATCAGCATTGAGTCAATCCGGGCCGGGAGCAGTCATCTGTGGTGAGG
CTGATTGGCTGGGCGGGAACAGCGCCGGGGCGTGGGCTGAGCACAGCCGCTTCGCTCTCT
TTGCCACAGGAAGCCTGAGCTCATCTGAGTAGCGGCTCTTCAAAGCTCAAAGAAGCAGAG
GCCGCTGTTCTGTTCTTTAGGTCTTTCCACTAAAGTGGAGTATCTTCTTCAAATTT
>EP35016 (+) Mm P-glycoprotein 1b; range -499 to 100.
ATATCATTTCTACCTTGAAATGTATAGGACTATCATCCAAGCCAAGACCATATATATAT
ATTTTACAGAAAAATTTCTACC
AGCCTAGAAAGCAATGCTGTGAGAAAAAAGGAACTTTACAGAATAAGCAAGGTCCC
TGGTTGCTTTATTAATTATATTAGATTAGCTATGTGAGGAAAGTGTCTTTTAAAGTATG
ACTCATCAGAGAACCAACTGTGTACTATCCAGGTATATACACTTCTGTATGGACACTTAC
CTGAACACGTAAGACAAAGTCTATGTAAGTGTCTGAGGGAACAGCGCCTTCTCAAAAA
AATCAGGGTAAGCCTGGAAGTATCTCTGTTTCGCAACCGCTCCAGCTGCCCATGCCCAA
TCCCACCCACAGGCTGATTGGCTGCCGGGCTTAGGGCGGCCGCTGGCATCTATTTTAA
TCCGGGGCCCGAGGAAGCCCTCTGGCTCCTTCCCGCAGTGGCTCTTGAAGCCGTAAGAGG
CTGAGGCCGCTGCTTCCATCTTCTGAGGTTCCGCTCAACTCAGAGCTACTTCAAATTTCT
>EP27012 (+) Rn cytochrome C som; range -499 to 100.
ACAGAGTGAAGTCAACGATGAGTCCGGTGCAGTTACGCTAGTCAGGGAATCTAGACC
AAGCCTGGGTAAAGGTCGCTTCAGACTGGGCGGCGTCTTAGCACTACCCGTGGGCGGA
GGCAGAAGGAGTCTTAAGAGCCGGTGTACCTGAGGCCAGCCGACCCAAATCCCGAGGG
AGCGACCACCCGCTACTCGTCTCTCCCAACACGCAGGCCGAGGGTGACGTATCCAC
GTCCACGCCTTACGTCCAAGGCTGTCTGTAAGTGTGCGGCAAAACGAGGCCTCTAGAGGA
AGGGCGCCCTCTCGGTACAACCTACCATGTAGCCCGCATGCGCGCGCACCTTGCTAGCG
CTCCCAATCCTGGAGCCAATGACATGCGGCTACGTACGCGCGCAGTGGCGGCGCTGCCG
CACGTCCGGCCGCGGGAGGGCAGAACAAAGTGTGGTTGCATTGACACCGGTACATAGGCGC
GGGCGGCGGTGCTTGGGCTAGAGAGCGGACGTCTCCCTAAGAGTCTGATCCTTTGTG
GTGTTGACAGCCCGGACCGGTGAGCGCGGACGGGGACGCGGGGCGGAAGAGGGCGAG
>EP24033 (+) Mm adipocyte p. aP2; range -499 to 100.
AACTAGGCTACTTTAAATGTCAATTATTTATTTTGTAAATTCCTGAGATAAACACTAT
TCTAACAAAAGAGCCATTAAGACTAAGAATCTCTAAGATAGTTTTTATGTTCTCAAATTC
AGAAGAATAAACACATTATTGCAGTATTAATAAAATAAAACTCAAGATAAGAAGGTCA
AATGTGTCCAAGATAATTGTCTCCTCCACAATGAGGCAATCCATAAGGAATAATGGGGG
GAAGTTCAATGCATTAGCTTTTACAGTCAAAACAGGAACCTTTAAATACTCTGTTTAT
GGTTAAAAATAATTTGTACTTAAGTCCAGTGATCATTGCCAGGGAGAACCAAGTTGAG
AAATTTCTATTAATAACATGACTCAGAGGAAAACATACAGGGTCTGGTCATGAAGGAAAT

GATCTGGCCCCATTGGTCACTCCTACAGTCACATGGTCAGGGCATCTTTAAAAGTGAGC
TATCTGGACTTCAGAGGCTCATAGCACCTCCTGTGCTGCAGCCTTTCTCACCTGGAAGA
CAGCTCCTCCTCGAAGGTTTACAAAATGTGTGATGCCTTTGTGGGAACCTGGAAGCTTGT
>EP11111 (+) Hs haptoglob Hp1F; range -499 to 100.
AGGGGGCTGGGCGTGATGGCTCACACCTGTAATCTCAACACTTTGGGAGGCTAAGGCGGG
TGGATCACTTGAGGGTGGGAGTTTGAGATCAGCCAGAGCAACATGGAGAAACCTCGTCTC
TACTAAAAATACAAAAAATTAGCCAGGCATGGTGATATATGCCTGTAATCCCAGCTACTC
GGGAGGCTGAGGCAGGAGAATTGCTTGAACCTCGGAGGTAGAAGTTGTGGTGAGCTGAGA
TCATGCCATTGTACTCCAGCCTGGGCAACAGGAGTGAACTCTGTCTCAAAAAAACAAA
AAACAAAAAAGAACACCACGGGAAAATCAAGTGTGAAGCAAGAGCTCAACTCTTAACAGG
GGCAATGTTTGGAGTTTGTACTGGAAAAGATAGAGACCTTACCAGGTCCAAAGTTTGT
AGACACAGGAATTACGAAATGGAGAAGGGGGAGAAGTGAGCTAGTGGCAGCATAAAAAGA
CCAGCAGATGCCCCACAGCACTGCTCTTCCAGAGGCAAGACCAACCAAGATGAGGTGGGT
CCACAGCTTTCCTCCTGCCTTTCCTCTGGTTCTTTATTTCACTCTTTTTTGCATACATT
>EP57001 (-) Hs haptoglob Hp2; range -499 to 100.
AAACACATTTACTGATTTTCAGGCTGGAGAGCTTTTAAGCAATAGGGAGATGGCCACACAC
AAGGTGGAGAAAAATTACTGTGAAAAGGAAGTACTTTCTTAGAGCCCCACCTAAGCTAGG
CTGCAGAAATGTCTACAATGGGTTTGAAAAAACTCAAAATGAGCCTTTCTGCAGTGTGAA
AATCCTCCAAGATAAAGAGACAGATTGATGGTTCTGCGCCGCCCTGTCTGCCAGTT
GCTGATTTTCAGGAAATACTTTGGCAGGTTTGTGGGTCATAGAGTTGCCAGGTTTCTTGGG
ATTTGTAATAGAACATCACAAGAAAATCAAGTGTGAAGCAAGAGCTCAACTCTTAACAGG
GGTATTGTTTGTGGTTTGTACTGGAAAAGATAGTGACCTTACCAGGGCCAAAGTTTGT
AGACACAGGAATTACGAAATGGAGAAGGGGGAGAAGTGAGCTAGTGGCAGCATAAAAAGA
CCAGCAGATGCCCCACAGCACTGCTCTTCCAGAGGCAAGACCAACCAAGATGAGGTGGGT
CCACAGCTTTCCTCCTGCCTTTCCTCTGGTTCTTTATTTCACTCTTTTTTGCATACATC
>EP57002 (-) Hs haptoglob HpR; range -499 to 100.
AGGGGGCTCGGGCGTGATGGCTCACACCTGTAATCTCAACACTTTGGGAGGCTAAGGCGGG
TGGATCACTTGAGGGTGGGAGTTTGAGATCAGCCAGAGCAACATGGAGAAACCTCGTCTC
TACTAAAAATACAAAAAATTAGCCAGGCATGGTGATATATGCCTGTAATCCCAGCTACTC
GGGAGGCTGAGGCAGGAGAATTGCTTGAACCTCGGAGGTAGAAGTTGTGGTGAGCTGAGA
TCATGCCATTGTACTCCAGCCTGGGCAACAGGAGTGAACTCTGTCTCAAAAAAACAAA
AAACAAAAAAGAACACCACGGGAAAATCAAGTGTGAAGCAAGAGCTCAACTCTTAACAGG
GGCAATGTTTGGAGTTTGTACTGGAAAAGATAGAGACCTTACCAGGTCCAAAGTTTGT
AGACACAGGAATTACGAAATGGAGAAGGGGGAGAAGTGAGCTAGTGGCAGCATAAAAAGA
CCAGCAGATGCCCCACAGCACTGCTCTTCCAGAGGCAAGACCAACCAAGATGAGGTGGGT
CCACAGCTTTCCTCCTGCCTTTCCTCTGGTTCTTTATTTCACTCTTTTTTGCATACATT
>EP24028 (+) Mm SBP (MP25); range -499 to 100.
CAACAAACAAACAAACAAACCCTAAGATCATCTACCTGGATTACAGGTAGTTCCAGCAT
TTATGATAGATACTTGTATCTTCAAGGTTGCCTTGAAGCTGCTACTCTTGGCCTTTGAA
GATATCAGGACAGGCAACACACACATAGCTCTGGGCAAGGGGATGAAAGGGCCCTGA
GGGATAAGCAGAAAACAAAGTTCAAGATTAATACTACTTGTTCAGTTTAGCTTGTAAC
CTGACTACTTGGGAATCCAAGGCATAGTAAGGTTGGTTATATTGTTTTCTAAAGGCAGG
ATAAATTTAAACAAGTTGAGTACACAGCAGGAAAGCGGCTGAGTACATTGTTTTAAATGT
TCTCAAAGCCTTGGGGGCAAGGTTGGGCAAAGTTAAGGTTCTGAGGACCAGCTGACGAGG
CATTGCCAGAAACCATTCCTATAGCAGCCATGGCTCAGTGGCATCAGGATATAAAGGGAC
AAGCCAAGGGGCTCAGTCCAGAGAGCACAGGTAAGGAAGGAGGCCAGAACCAAGTCTGGTG
CAGTCAGGGAGGCCAGGACAGAAAAGGGAGAATGGGTTGAGCCAGCTAGAGACTGAAGCA
>EP23014 (-) Rn DNA pol b' P1; range -499 to 100.
ATTCAAGCAAGTTCTAAGGGTCTCACATATAGAGTTAGTTACGTACAGACATTTTCTTCT
GTGGTCTTCTCATAGCTTTAGCTTCTCCACAAAAGGCATGGATTCTTAAACAAAGAAAA
AAAACAAAGCCAGAACACGTCTTTAGCCGTTGGTTGGCAGTTGGCATATTTTATTCCGTG
TTTTACATGGCGTCCAAAAGCACAGAGCAGCTCTTGGATAGCTGAACTGGCACTGGCACT
CCTCACATACAATAAAGCCATTGTTCCGACGCTATTGCCACAGCAGCCAACGTCCAC
CTCCTTCTGCAGCTCGGGCTCTAAATCAGACTGTTCTCAGATTAAGAGAGCAGATATGAT
CTCTCAGGCTAACCCACTAGGAGGTAACCTGGCCTCCCTCCGCTCTGCCAGGAATTC
CCTCTACAGCCTGGGCACTGCTAGCCCCGCCAGTAGCCTGGCGCGTGACGTACCCGCG
CTGCGCCCTGTACAGGGGCCGCAATTGTTCCACCGGTAAGACACAGGTGTGGGTCCCCGGC
ACCATGAGCAAACGCAAGGCCCGCAGGAGACCCTCAACGGCGGCATCACGGACATGCTC
>EP16049 (+) Mm DNA polymerase b'; range -499 to 100.
GGATCACATATAGAATATGAGTGTTCATTGCTGTTTAGTTAAGTCAGACACTTCTTCT
TGGGGTCTTTTCTAGCTTTAGCTTCTCCACAAGAGGCATGGATACCGAAACAAACAAA
CGAACAACAAAGCCAGAACACGTCTTTAGCCGACGGTTGGCATATTTTATTCCATGTTT
TACATGTGTCCAGAAGCACAGAGCAGCTCTTGGATTCTGACAGCAGAACCCGCGCCGGCA
CGCCTCACAAACAGTACAGGCCGTGTGTTCCATAGCTACTGTCCACAGCAGCCAACGTCC
ACCTCCGTCTGCATCTCGGGCTCTAAATCAGACTATTCTCAGACCAGGAGAGCAGATTGT

ATCTCTCAGGCTAACTCACCAGGAGGTAACCTGACCTCTAGCTCCCCCTCCGCCAGAG
ATTCCCCGCCCGCACCCGTAGCCCCGCCCGTAGCCTGGCGCGTGACGTACCCGCGC
TCGCCCTGTCAAGCGCCGATTGTTCCACCGGTAAGACCCAGGTGTGGGTCCCCGGCGCC
ATGAGCAAACGCAAGGCGCCGAGGAGACCCTCAACGGCGGCATCACGGACATGCTCGTG
>EP23015 (+) Rn DNA pol b' P2; range -499 to 100.

CAGACATTTTCTTCTGTGGTCTTCTCATAGCTTTAGCTTCTCCACAAAAGGCATGGAT
TCCTAAACAAAGAAAAAAACAAAGCCAGAACACGTCTTTAGCCGTTGGTTGGCAGTTGG
CATATTTTCATTCGTGTTTTACATGGCGTCCAAAAGCACAGAGCAGCTCTTGATAGCTG
AACTGGCACTGGCACTCCTCACATACAATAAGCCATTGTTCCGCGAGCTATTGCCAC
AGCAGCCAACGTCCACCTCCTTCTGCAGCTCGGGCTCTAAATCAGACTGTTCTCAGATTA
AGAGAGCAGATATGATCTCTCAGGCTAACCCTAGGAGGTAACCTTGGCCTCCCCCTCCG
CTCTGCCCAGGAATTCCTCTACAGCCTGGGCACTGCTAGCCCCGCCAGTAGCCTGGC
GCGTGACGTACCCGCGCTGCGCCCTGTCAAGGGGCCGCAATTGTTCCACCGGTAAGACACA
GGTGTGGGTCCCCGGCACCATGAGCAAACGCAAGGCCCGCAGGAGACCCTCAACGGCGG
CATCACGGACATGCTCGTGGGTGAGTCCCGGGCGCCCTCCGATCCCTCTCTCAGCCGG
>EP28001 (+) Mm RNA POL II RP215; range -499 to 100.

CTTGCCTGCCTTATGCAATTCAGCGGTGAAGTGAATATTCATGAACGAGGCCCGTCCCCG
TCCCTCCCTCCTTCCCCCACCCTCGAACCCTGCTCCGAGGACCCGAAGGGCCCCGCT
TCATTACCGATGCGTAGGACAAACATTTTCCCGATGTGTGTGGGGGGATACTAATGAGA
GACTTTAGCTGAAAATGAGCCTGAAGTCCGAAGCTGAGTAAAAATGGCCTAACTTTATCC
TCCGTTCTGTAAGTCTCGGTTTGTAGTGACGGGAAACCCGAAAGGAGGACGACAGGACC
AGGAACATTCTCTCTCTGTGCGCTCAGAAAGAACCCCAACCAGGGAGCCGGAGCCC
TAGCGTCAACAACCTCGCCGCGCGCTCCGTGTAGGCCGGTGGGGCGGCCCGTAGCG
CAAGGGAGGGCGGGAAAGGAGGGGCGGGACACAAGGGCGAATCTATAAAGGGCGTCACT
CAGCCAGTTCTCTCTCAGAAAGCGCGAGAGCGCGACCGGGACGGTTGGAGAAGAAGGTG
GCTCCCGGAAGGGGAGAGACAACTGCCGTAACCTCTGCCGTTACGGATCCCGGTTACT
>EP25014 (+) Hs 2'5'-oligoA synt.; range -499 to 100.

GCATAGTATAATACCATTCTTAACAAAAAGAAAAGAGACCTGTGTTTGTGTGTGTAA
CATTTGAAAAAATCTGGAAGCTCTATATCAAAACGTTTATAGAGGCAATTTTGTAGTG
TTAGAATCATAGATGATCTTTCCACTTCTGGTTTTTCTGACTTTTTTCTTTTGCAGT
GGGCATGTATTGCTGGAATAACACAGACAACTGTGAAAGGATTTTCATCAACAACAAAA
AAAAGATAAAGAAGGAAACACAAAATCTGTTAAATAAGATTTATGTTGGCTGGAGTTAA
AATGCAATTTCCAGAGCAGAGTTCAAGAAAGGCTGGGCTGCTTGTGCTGAAAGGAC
AAAGGGTAAGTTTCAGGAAGCAGAAGAGTGAGCAGATGAAATTCAGCACTGGGATCAGGG
GAGTGTCTGATTTGCAAAAGGAAAGTGCAAGACAGCTCCTCCCTTCTGAGGAAACGAAA
CCAACAGCAGTCCAAGCTCAGTCAGCAGAAAGAGATAAAAGCAAACAGGTCTGGGAGGCAG
TTCTGTTGCCACTCTCTCTCTGTCAATGATGGATCTCAGAAATACCCAGCCAAATCTC
>EP07058 (+) Mm HPRT; range -499 to 100.

TCTATTTCTCCTAAGGTTACTAAGTAGTTTATTTTCTTTTGGATTGGTACTCCACTTT
GTAGACCAGACTGGCCTTGAAGTCAAGAAATCCGCTGCCTCTGCCTCCTAAATGCTGGGA
TTAAAGGCGTGCGCCACCACCGCCCGGCTGGATCTCAAATCTTATGACTAAGTAAAAATT
TGTGAAAGAACTGGGCCTAAATCTTGAGGAATCACATCATGATTTAGAGCTGTTTAGACT
CATGAGGAGGGAGAAAAATGCGGAGTGATTATCTGGGAATCCTCTGGGAGACGACAGAGG
GCCTGGGGGCTGCGGTATGGCCAGTACCATTTTCTTCAGAAAGAAAATTATCAGGCCAC
CTAGTCAGATAAGAGTTCCGGAAGTGCCTTTGGTGGCGCGCGCGGGAGAACGCCACG
GGAGCCTCCGGGACGAGGCTGGGCGGGCCGAGAGGGCGGGCCGAGGGGCGGAGCCTGG
CCGGCAGCGTTTCTGAGCCATTGCTGAGGCGGCGAGGGAGAGCGTTGGGCTTACCTCACT
GCTTTCCGGAGCGGTAGCACTCCTCCGCCGCTTCTCCTCAGACCGCTTTTGGCGCG
>EP15031 (+) Mm TS; range -499 to 100.

AAAAAGCCCAGGACTTAGCACAGAGTTCTATCAGGCCTTCAAAAAGACTTAATTCCAATT
CTCAAACTATCCCAACAAACAGAAACAGAAAGGTCTCTACCCAATTCATTCTATGAAGCC
AAAATTACTGTGGTTCCCAAACTACATAAAGATCCAAGTACAAGTATCGTATAAGCCAAA
GGCTCTTTTTGAGACTGGGTCTCAAGTACCTAGGCTGGCCTTGAAGTTGCTATGAAGTGA
AGGCTTGCCTTAAACTCCAGATCCTCTAGCCGACTCAATCTCCAGGAGCTGGGATTTAA
TGGCATGCATCCCCACACCCTGATCCTATAGGCTCTTAATGCCATAATAGGGTAAATACA
GATTTGAGAAAGTGGGCAGGTGTTTGCCTTGCAAGCTGTAACCACTTCTGTCACGTGGGG
GCGGGGTCTGCCACGGATTCTGGCGGCCGGAAGTTTCCAGCAGGAAGAGGCGGGCTGGT
GTTGGAGGAAAAGAGCGCCAGGAAGGTCTGGTGTGTCGCTGACTACACTGCTGCCAGA
CTGCTCCGTTATGCTGGTGGTTGGCTCCGAGCTGCAGTCCGATGCTCAGCAGCTGAGCGC
>EP24032 (+) Mm DHFR P1; range -499 to 100.

CCGCCCTAGCGGTCCGGCCCCACCCCGCCCTCTAGCTCCGCCCGTCCCAGACAGAACC
CGCCCGGACGGCTTCGCCTAGGTGGACGCTAGGGGCGCCGCGGAGCCGTACTTTACCT
TCTCTGCTGGCTCCGTGGAGGACGCGCTGGATCTTAGGCTTCCCGCAGACCTGAAGAACC
GGCTTAGAACGTTTGCCTCCCCGGGCTGGGCGGGCGGAGTAGAGCCTCCCGACGCGG
ATTTCCCGCGGGGCAATTGCAGTGTGCAGAAGAGCCGGCTGCTAGGAGCGGAGCGCGCG

GCCGCACTTTCTCGCGCCTGCGCGCGCGCACGCTCAACCTGTGCGGGACCGGCCTTGGG
GGCGGAGCCTTAGCTACACAAATAGAATGCGCGGCGGGCCTTGGTGGGGGCGGGGCCTTA
GCTGCACAAATAGGATGCGCGGCGGGCCTTGGTAGGGGCGGAGCCTTAGCTGCACAAATA
GGATGCGCGGCGGGCCTTGGTGGGGGCGGGCCTAAGCTGCGCAAGTGGTACACAGCTCA
GGGCTGCGATTTGCGGCCAACTTGACGGCAATCCTAGCGTGAAGGCTGGTAGGATTTTA
>EP07057 (-) Mm DHFR P2+; range -499 to 100.

CGCCCCGGGACGGCCTTCGCCTAGGTGGACGCTAGGGGCGCCGCGGAGCCGTACTTTACCT
TCTCTGCTGGCTCCGTGGAGGACGCGCTGGATCTTAGGCTTCCCGCAGACCTGAAGAACC
GGCTTAGAACCGTTTGCCTCCCCGGGCCTGGGCCGGCGGCAGTAGAGCCTCCCGACGCGG
ATTTCCCGCGGGGCATTGCAGTGTGAGAAGAGCCGGCCTGCTAGGAGCGCGAGCGCGCG
GCCGCACTTTCTCGCGCCTGCGCGCGCGCACGCTCAACCTGTGCGGGACCGGCCTTGGG
GGCGGAGCCTTAGCTACACAAATAGAATGCGCGGCGGGCCTTGGTGGGGGCGGGGCCTTA
GCTGCACAAATAGGATGCGCGGCGGGCCTTGGTAGGGGCGGAGCCTTAGCTGCACAAATA
GGATGCGCGGCGGGCCTTGGTGGGGGCGGGCCTAAGCTGCGCAAGTGGTACACAGCTCA
GGGCTGCGATTTGCGGCCAACTTGACGGCAATCCTAGCGTGAAGGCTGGTAGGATTTTA
TCCCGCTGCCATCATGGTTGACCATTTGAAGTGCATCGTCGCCGTGTCCCAAAATATGG
>EP07056 (+) Hs DHFR; range -499 to 100.

ATCATCGGGCGGAGGGTCCCCGCCTCCGCCGCTTACCCACAAGCCCCGCCCCCAGC
CCCGATGGCCCTGCCAGTCCAGACAGAACTACTATGTGCGGCGGAGCTGGGGCGGG
AAGGCGGGAGCTGGGGGCGCTGGGGGCGCTGCGGCCGCTGCGGCCGCTGCAGCCGCTGCA
GCGCCAGGGTCCACCTGGTCGGCTGCACCTGTGGAGGAGGAGGTGGATTTAGGCTTCCC
GTAGACTGGAAGAATCGGCTCAAAACCGCTTGCCTCGCAGGGGCTGAGCTGGAGGCAGCG
AGGCCGCCCCGACGAGGCTTCCGGCGAGACATGGCAGGGCAAGGATGGCAGCCCGGCGGC
AGGGCCTGGCGAGGAGCGCGAGCCCCGCGGCCGAGTTCCAGGCGTCTGCGGGCGCGAGC
ACGCCGCGACCTGCGTGCGCCGGGGCGGGGGGGCGGGGCTCGCCTGCACAAATGGGGA
CGAGGGGGGGCGGGGCGGCCAAATTTGCGGCCAACTTGACCGCGCGTTCTGCTGTAACG
AGCGGGCTCGGAGGTCTCCCGCTGCTGTGTCATGGTTGGTTGCTAAACTGCATCGTCGCT
>EP25035 (+) Hs thymidine kinase; range -499 to 100.

GGCGCTCTGCATGCCCACAGGAGTGCTCTAGACGGCTTCTAAGCTTCTTCTTGAATTC
CAATCTAATAAATGAGCTAACTCCGCCCAGCCCCCTTAGTCCCTCCCTGCAATCCACCTA
CCTCTGCAGACATCTTCTTCAAGGAACCTTGCTTGGGAAACCCACACCAGACACATCCA
TCATGGCGTCTACAGCCGATGGGCGTGCCTCCTCTGTTTATATGGCCAGAGCCCCGCC
TCGCTCCGCCCTTTAAACTTGGTGGGCGGACCGAGGGCGGGGCTCAGACCAGGCCCCACC
CCGATCACGCCAGTCCATCGCCCTGATTTCCAGGCCCTCCAGTCCCTGGGCGCACGTCC
CGGATTCCTCCACGAGGGGGCGGGCTGCGGCCAAATCTCCCGCCAGGTGAGCGGCCGGG
CGCTGATTGGCCCCATGGCGGCGGGGCGGCTCGTGATTGGCCAGCACGCCGTGGTTTAA
AGCGGTGCGCGCGGGAACAGGGGCTTACTGCGGGACGGCCTTGGAGAGTACTCGGGTTC
GTGAACCTTCCCGGAGGCGCAATGAGCTGCATTAACCTGCCCACTGTGCTGCGCTGCCCTCC
>EP25004 (-) Cgr APRT; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNGGATCCGGACAACACCCACACCGGCCCTCCAGGTCCAGAAAGCTGGCCCTGCGAG
AAGCGGGACTGAAAAGGCGTGCGGGAGCCAGAAATCCAAAAGGGTGCCAAGGCATGCGTC
CTTTTTCCACCCAGAAATAACCCAGGCTTTCAATTTGAGGTTATTTCAATATCCAGCAA
ATGCGTTACTTCTGCCAAAAGCCAGCCTCCCCGCAACCCACTCTCCAGAGGCCCCGCC
CCGTCCCGCCCCCTCCCGCCTCTCCTCGTGCTGGATCGCTCCCTAAGGACGCCCCGCTC
CAGAAGCCCCACCTACCAAGGACGCCCCACCCTTGTTCCCGGACTGGTATGACCCAGCC
TGCTGACATCCCTCCGCCCTTCTCGTGACGCGGCTATGGCGGAATCTGAGTTGCAGCT
GGTGGCGCAGCGCATCCGCACTTTCCCGACTTCCCCATCCCCGGCGTGCTGTTTAGGTG
>EP25001 (+) Ma APRT; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNGGATCCGGACAACACCCACACCGGCCCTCCAGGTCCAGAAAGCTGGCCCTGCGAG
AAGCGGGACTGAAAAGGCGTGCGGGAGCCAGAAATCCAAAAGGGTGCCAAGGCATGCGTC
CTTTTTCCACCCAGAAATAACCCAGGCTTTCAATTTGAGGTTATTTCAATATCCAGCAA
ATGCGTTACTTCTGCCAAAAGCCAGCCTCCCCGCAACCCACTCTCCAGAGGCCCCGCC
CCGTCCCGCCCCCTCCCGCCTCTCCTCGTGCTGGATCGCTCCCTAAGGACGCCCCGCTC
CAGAAGCCCCACCTACCAAGGACGCCCCACCCTTGTTCCCGGACTGGTATGACCCAGCC
TGCTGACATCCCTCCGCCCTTCTCGTGACGCGGCTATGGCGGAATCTGAGTTGCAGCT
GGTGGCGCAGCGATCCGCAGTTTCCCGACTTCCCCATCCCCGGCGTGCTGTTTAGGTGA
>EP15032 (+) Mm ADA; range -499 to 100.

TGTGTGTTCTGTCCACCCCTGTCTCCAGCCACCCTGGAGACTTAGTTCTCAGGAGTCT
CTCTCACACACAACAGTGTCTCTGCATCCACCCGCCCTCACCTGGTGAAGTCCGGCAG
TCGCCGCTAAATCTCCCTAATTACACACTTCTTCTGCCTTGTGATTCTGCAACAAGTGGG
TCTATCCCTCAAAATCCAGCCCCATAAGGCTTCAGGACTGTGTGGCTCCAGCTTCAGCCT

GCACAAAGTAGCGCCCAAGCAACACTGGAAGCCTCGGTACTGAAGGGGCCCGGAAGGGG
CAGGTGAGGACATTGGAGTCGCTGTCAGGGGCTCACCTGGGAGCTTCCTAGGGTGTA
GCCAGCAGGGAAGGTCTGGGGTTCAGAATCCGGGAAATGCGCGCCAGAGTTGCAGGCGG
GGGGGGGGGGGGGGGGGGCGGGGCGTGGCTCCGGAAGGCGGGGTCTCTGTGGGCGTAG
CGTGGGCGGGGTGTGCCGGGCGAGCCCGTAAAAAAGAGCGTGGCGGGCGCGGTCTCT
GAGAGCCATCGGGAAGCGACCCTGCCAGCGAGCCAACGCAGACCCAGAGAGCTTCGGCGG
>EP11113 (+) Hs ADA; range -499 to 100.

CGTAGAATGCTCTTCCACCCCAACCCACCTGATGAACTCCTGCAGTTCTGCAGGCC
ACGGCTGGCCCCCTCGAAAGTTCCTTAACATACAATTATGGTGTGTGTTTCTGCGACG
AGCGTCCGTCTATCCGGTGAAGGCACGCCGCTCGAGGCTTGCGATGCTCCCGGGGTCCC
CGTTCTAGCTTGGGCTTGGCGCACAGCAGCGCCAGACTGCAGGGGGACGCTTGAAAGT
TGCTGGAGGAGCCGGGGGGAAGGCAGCGCCAGCGAGGCGGCTGGAGCGCGCGCCACAG
GTGGGTCCGGTCCGGGCGCGCGGGGCGGTAGTTTTCGGGTGGCGGGCGAGGACGCCGGG
TCCAGAATCCAGGAAATGCGCGATCCAGGCCGGCGGGCGGGGCGGGGCTCCGGCGAGA
GGGCGGGCCCCGGGAACGGCGGGCGGGGCGGGGAGGCGGGGCGGGGCGTTAAGAAG
AGCGTGGCGGGCGCGGCCACCGTGGCCCCAGGGAAGCCGAGCGGCCACCGAGCCGGC
AGAGACCCACCGAGCGGGCGGGAGGGAGCAGCGCGGGGCGCACGAGGCGACCATGGCC
>EP47008 (+) Ma CAD; range -499 to 100.

CTTTTCGCTGCTTATGTTCTTTGGGATTCTGGGTCCACCACGCTAGCCATCTCCATTCT
ACTTTGGGAACTCAGCGCCGAAAGGCCAAGGCTTCATGAACCTCACAGGGCTTCTTGCT
CACCCGAGATCGCTCTGATCATGACAAACATTACTCGCCAGCCAGCGGATCCTGCTCAAG
GCTGAAGCGGCCATTGATAATGAAGGAAGGTGTCAAATTTTACCACTTCGGGGTGGTGA
CACTCGGTTCCAGGAGCGGACGAGTACTTGATGTATTATTGACTACAATAAACACTTTTT
TTCCATTGTTTTAGGAAATAGTGCCCTACCTTTGCGTGTTCCTTGCTTGAGGGGCTGGTT
TGGGACGGTTCGGGTTTCTCGGGTCTCCAGGTTTTGCTTGTTGTGTATGCTGTGGACCCACC
CATGGTCCCGCCCCCTACGTCCCGGCCCGCCCCCTACGCTGCCGGCTGCCTGCGCGGT
CGCAGTCGTGCTCCAGCTCAGTACGATTAGGGCTGCCGCTTACCGCGCCCGCCTGCTCTC
CAGCGCCCCGCTCAGCGAGCCACGTGGACCAACTTCGGCGCGCGGTGTTTCGTTGGTTCC
>EP64003 (+) Hs TdT; range -499 to 100.

TGGAAACATAGTTCGAAGTGAATAAAAAAGGTGATTGGCAAAATGAGAAATGTAACAAT
GCCATTTATGTAAGTCAAAACAACCACAAGCAGAATATAACACCCATGCAAATAACAGA
CATCCAGTACAGTGTATGATTGTCTACAAAAGGAGGAGAATGCAAGTGAAGTTGGGAGGT
TTAAAGGGGATCAATAAATAAAGACACAGAAGGGCCTCAGTACATTTAGAAATAAATAA
CATGCAAAACAATGATGCTTCCCTACCTTCTCACGAGGTTACTCTGAGGAGCTAATGAGA
TTGTGCGTATGAAAACAAAAGTTAATTGACTGTCTTCATTATGATCTCCATATTGGACAA
ATGAACTGAACAGAGATAAAAAATCCCCATCACACTTTGGCAGGAAGCTGTTGCCAGGGC
AGCACCTGTGAAGCCCTGGCTTGCTTCAGAGTCTGCTGGTGAGATGACATCAAAACCCT
TCGTGTAGGAGGGTGGCAGTCTCCCTCCCTTCTGGAGACACCACAGATGGGCCAGCCAG
AGGCAGCAGCAGCTCTTCCCATGGATCCACCACGAGCGTCCCACTTGAGCCCTCGGAAG
>EP64007 (+) Hs TOP3; range -499 to 100.

AAGAAACCTGCTGCGAAATCACCTGCACTCTCCGGAACCCACTGCGACAGCAAAAGCCCC
CGCTCTGAACAAGGCTTAACGCGAGGCTACGGGACGCCGAGGGGTACGCCAAGCGCTGC
TGCCCCCTCACTGCCCCAGGGGAGAAACCGTCGCGGCTCCTAGGACGCCACAACCCGGATC
CTGCTACCGCGGCGCGCCATCTTGACATCACATGACTCCTGGTGTCCGCGCCGCTGAC
CCGGAAGCGTCTCTGAGACTTCCGAGCAGGAGATTAAGAGTCAAGAAAGAGGCCCTT
GGATGGGAGTGTCTGGCGGCTCCCCGCAAGAAGGAGTCCGATTAACCAACCACTGCCGGG
AAGGAGGGGAAAGAGGGGCGGAGTGAGACGGGGCGGGGGAAGGTGGCAGAGGGGAACG
TGCTTGAGCAGGGGGCGCGGGACAGTCTGGGAGTTGTAGTTCAGGTCTGTGGGGCGC
GCGCTTGGCGGAAGTAGCTGGAGAAGGCGGGCGGAAGTTCCACGCCAAGATACTGGATT
GGTGTGAGGCGGGGCTGCGGCACGGGAAGGCTCAGTGACTGAAGTCCAAAGGCCAG
>EP30055 (+) Rn CPS I; range -499 to 100.

GTAATAAAGCTGTAGTATACTGCTTCATTAGTAATCCTCTTCCCAAATAATTGAGATGTT
TTCTGTTTATTTGTGAAGGAAAGTTCAGTTTCTTTACTGGATGTGGTTTCCATCATCTT
TTCCCAAGCAGAACGTGTCCAGGTTTGGGTTTTCTTGAAATCCAAATATCTTCTGAAGTA
AACGAAGCATCATTTCCAACCTCAGTAAAGCGTGTGACCTTTTGTATTATTAGAGAGGTAC
TGTCCTTCAAATAAGCAGTACACCTAAGGCTGTTTACCACGCTGGGTGATGTTATTACAG
CTACACAAGCAACTCTTTTGATGGCTAGCTTGCTTGCTGCAGCAGTAACATGATTTCCAC
AGGAGAAGGTGCCATTTGTTATGTTGCAACTTGATGACATGTCCATTGGAACATCTCTG
GACATCAGCTTGGGAGGAGGGCTGAGGAGGGGAGGAGCTGTAGACGGGCTATTTAATGG
CAGAATGAATGGGGAGTCAAAGATCGCTGTGCAGTCAGCCTTCAGCCCCAACTGCACTGT
CTCCACACAGCTTCTTCCCACTGGTTACAAGCAAATTGGACAACAAAATCTCATGAGA
>EP11114 (+) Hs ASS; range -499 to 100.

GAAGGCCAGGCTGCCGGCACCGGATAGAAGTGAGCACGAAGCTCCCTGCGCCAGTGGA
CTTTTATCCCGGCTCCACCGCAAGCGTTAAATTGCTTCCCCAGGGCCAGGAGGCAAG
TCTCTGAAGGACGGCTGCGGCCACCTCCGCCCTGAGTTACATGGGTGCGAGCCACTG

CCGCCCTCCTTGGCGCCTCCAGCCCGGGGCCAGGGCCAGGAACCGCGAGCCGCCTGCGC
CCCCGCCGGCGCGCCCTGGGAGGGTGAGCCGGCGCCGGGCCAGGCCCGGACCTGGTGG
GAGGCGGGGGGAGGTGGGGACGAGGCCTGGGGAGGCGGGCCCCGCCATCTGCAGGTGGC
TGTGAACGCTGAGCGGCTCCAGGCGGGGGCCGGGCGGGGGCGGGGTCTGTGGCGCGC
TCCCCGCCACGTGTCCCGGTACCGGCCCTGCCCCGGGCCCTGTGCTTATAACCTGGG
ATGGGCACCCCTGCCAGTCTGCTCTGCCGCTGCCACCGCTGCCGAGCCCGTAAGGA
GCCCTCGGCCCTCTCGTGCCCACTCCCTAGCCGAGAGCACCCGCTTCCCGGGCCAGA
>EP37005 (+) Mm OTC; range -499 to 100.

GTGCTAGACAAAAAGGGAGCCTCAGGACTGAGATCTTTTATTATAGCTCTACACCTCTC
TAGCTTGCTGCCATGGAAACCAACTTTGAATCCATCCATTATTTATTATTATTATT
ATTTTTTTCTTGGTGTGGAATGGATGGGAGTGCTAAGTAGGAAAGTGAAATCAACAGGA
ATACACAGGGCTGTCTAGCTCCATCTGGGGTTTTGTACTGTCAATTTCCATTTCTGAA
TGAGTTATTTTCAGTGACCTTCACAGCAGCCCCAGCATGGCAGTGCCTTGCATATATTACA
TGCTCAATGGGTACTTGTCAACTGATTTTTATCCAAGCAAGTGACAGCATAAATACATTA
TGAAAAACGAAGAGGCTGGGCTCTGAAAGAGTTAGGATTCTTTCTTTCAAAAACACCTG
GAGTTAGGCTTAAAGTTCAAGTGCCCTGCACCCTGCCCTACTCTATCTCTAACAAGGCT
GATCTGTAAGGTAGTGAAGGTGCTAAGACCTTTGCTCCCTCTCTGCAACTGAAAGCATT
CTTAGCTTGCCAGTGGCCCCACTGCCTGCCTGCCTGTGGAGCTCTCTAGACCACA
>EP30048 (-) Rn arginase liver; range -499 to 100.

CACAGCCACGTCTTCTCTAGACTGTGTAACCTAGTGACACATGAAATGTGTCTCGCAGG
TTAGGTGCTTTCCCAACACTTGAAGCCTTGACTCAGGATGCTCACAGGAGGGAAGTAAG
AGACACTCCCTGCTGCCCTAGCCTCACCTTGACATCCTCGGTGGATTTAAATCCAAGAA
AAAAGGTGAGCAGCCTGCCCTGAGGTTGCTCAGGCTGGAAGCCTATCATTTACATGCGG
TTATGAAATCATACATAATTGTCAATTGTCTGAGGAAAGATTAATGTCATATCCGGCTGG
CTTTTTCGAAAGGTGTGAACAGGGAGGATGAATAATGCTCACTAACAGGAGGCTCGAGA
GGCTCGCAGGGAAGAGCAACGGGTATTCTTGGGAAGGGGAGTTTCTGTTGACTCTGTCT
TCTTCCGTTCAGTGGGCGGAGCCAGCTGTTGGATAAACAGATCCAACCCGATTATAAGGG
AGAAAAAAGATGTGCCCTCTGCTTTTAGGGCTACAGCTGGTAGTGAGCAGCTGAGCAGC
TGGACAGCCGAGGCAGATGCAGCAGCAGCAGCAGGAACCTGGATGAGCATGAGCTC
>EP30054 (+) Hs arginase liver; range -499 to 100.

TGTCTCATGGATTAACCATTTACCCTCATGTGTGAAATCTCAACTCAGGATTTTAGGGCT
GGAAGGGATGTGACAGACGATCTTGCCAAGCCCGGCCCTTCTTCTACAAGGACGTCTTCA
GAGATCTGGAGGAGGAAAGGCGCTTGCCCTGAGTTGCTGAGCCAGAACAAATAGGACTTC
TTCTGTAGTTGTGAAACTTGTCAAGTTGTTGAAGTCAGGTTAATGTCATCTGGCTGGCTTT
TAAAAAGGGTGTGAAGTGAGAACATGAATAATTGTCACTTGATTAGAGACCTAGACTCAG
AGTTAGGTTACTCCATGTATGAAGTAACCCCATATAGTTACTTCATACATGGAGTAACCA
TATAGTTACTCCATGTATGAAAAATTGCAAGACTGTTGACTGTCAATCTTTGGTTTAGTG
GGTGGAGCCAGCTGTCTCATTAGATAAAGGTTGTTTATTCAACCCAAGTATAAATGGAA
AAAAAAGATGCGCCCTCTGTCACTGAGGGTTGACTGACTGGAGAGCTCAAGTGCAGCAAA
GAGAAGTGTGAGAGCATGAGCGCAAGTCCAGAACCATAGGGATTATTGGAGCTCCTTTC
>EP37001 (+) Mm ODC; range -499 to 100.

TACCACCCCTGAATGGAAAGCCGAGGAAGAATTTTGCTAGTCTTCCAGGTCTGGGTTC
GCCGTTAGGACCTGGAGAGGGGGAAGAGATTGTGTGCCTAGGCGGAGAGGTAGGGGGCGA
GAGACTGGCGACCAGGTACATGTGCGCATGCACCAGCCGACTCCCGCCGCTGCCCATAG
GGCCCTGCGGCATGCTGGCAGCCAGGACTGGTGATGTGGTGCGCGTGCGCAGGCCTGCCG
CAGGGCGTGTCCGACACGAGGCCCGGGGGAGGCGCGGGGCGTATGGGCGGGTGGGTGGG
CACGCGCTGCGCCCCGCCCACTGACGCGCCCCGGCCGCGTCCCCGCCCTCCGGCGCCGG
GACCCGGGTTGGCCGCCACGAGTCCCCGCCCTCCCCGCGCTCCCGGCCGGAACCGA
TCGCGGCTGGTTTGAAGTGGTGCTTCCATGACGACGTGCTCGGCGTATAAGTAGCGGC
GCGTGCACCGCTCGGGCTTTGCTAGTCCCTGCAGCCGCCACCGCCGGGCCCTCAGCCA
GCAGCTCGGCGCCACCTCCGCTCGGCGTCTGCGGCGGGCTCGACGAGGCGGCTGACGGGG
>EP37015 (-) Rn OAT; range -499 to 100.

GCAAGTCTGTACTGTGTAGCTGTCAATTTCCAACCTAATAACAACAGTTACTAACATCT
GGGCAGCGTTTACAGCCGAGAGATGATATTAGAAGCATCAGTAAGCTGTTTTGCCATTT
TGGTAGTGAGGGTTTCAAGGTTTAAAGATATGATATTTGCTCCAAGAGGCTCTTTCAGGAA
AGGCTTTGGAGGGTCCCTCGGCTAGAGAAACGCAAGTGAAGGACCAGTCTTTCGCGCC
CCCGTTTCCCTTCTGTAAAAGAAAGCGGACTGCTCCAAGTTTCAAGCCAGAGCTCAAGCG
CAGCAGGCACAAAAGCAGACTGCGCACTTGGGGAAGGCAGCAGATCTTGGCTCCCGGAGG
ATCAAGGCCGGGTGGGTGGGGCGAGGGTGAGCCTCTTATGATTGGTGTGCGGCCCTCCGC
CATAGCCAATGAACTGAGAGAACGGGCGGGGGCGGGACAGACAGTCGTCTTAAACAGCC
TGACGCGCCGGGCTGCCACATCGGGCTTCTGTGGCTGAAATACAGTCAGTGTGCTTAGCG
GACGCTGTCAAGTACTACGTGCGCGCGGGGCTGGGCCGGAGCTACCCGAGCTCTCGGTG
>EP30056 (+) Hs OAT; range -499 to 100.

GACGACTTTTGGAGGTGGATTGAGAGGCAACTAAGCCGCGCGGCGCATCAGGGTTCAA
GGGCATGGGGCTCCCGCAGCTGTGGCTGGGGCAGAGCTGGGGCTGGTCCCTCCCTCCAGG

AGCACAGGGCGGGCGGTCCAGCCTCACGTCTCTCGGCCCTCCAGCCACACCCGGCCCCGCGC
AGTGGGGGGCCCAACAGACTTTTCTTTTCGGGCCTCAGTCTTCTCGTCAGCAAGGGCGG
ACAAGGACTTCTCTCGTCCCAGAGGAGGCGACCGAGGGGCTGAGCTCAGGTACAGG
CCGGCGGGCTCAGGAGGCGGAGCGCGGATCGAATCCGCGGGAGGAGCAAAGATCCTTGA
TGC GCGGCCGAGGGCGGGGCGGAGGACGGGACCCACGCGATTGGTATCCTGCCCTCCGC
CCCAGCCAATGAGCGGCGAGGGTGTCTTGGGGGCGGGGCGAGAATCAGCCTTTAAGTTGCA
GTGACTCTCCGGCGTCACTGTTGCGCTTCATAGACGCCGCGTGTACCCGGTTGTCTCAG
GCGCTGTCAAGTACCGTCTGGGCGCGCTGTCTGGGGCTCTGGTTCCGGGCCCTGGCCGG
>EP29019 (+) Mm AspAT mit; range -499 to 100.

TTAGGGCATAATCTGCTAATCTC
ACAAGTTAATACTCACAACTGCCCCACAAAATATGCCTGTTGTCTCTAACAGGGACATG
AAAGCATTCTGAACCTTGAGAGACTTGCACTTGGGAAACTAGTGGGTTGAAAGGAAAC
CACTGAGCATTAGGAAAAAATACTTCTCGGGTCAAGTTTACATTTTTTCC
TTCTTTCAAACCTGGCAGCTAGGCAGCTGCCTCTAGCGTAGCGGATGATTAAGTGAAGC
AGAGCGCTGAGCACTGTGGACTGCGCATCTCACATAAAGCTTCACAGGATTTATAGGC
AGCGATTAGCAGTGCCTTTCGAGTTTCCATGACCTCCGTGGAGGCGTCTGCTTCTACC
CCCGACCGCAAGGGGCGCTGCGCATGATTTCGCTCCAGGCGCAGGGCGCTCTAGCCAC
GCCAGGGAAGTCACTGTCTCACTTTTAGGAGCCGCGCTCGGTTCCAGCGGACGCT
TCCCCAGATCTCGGCTCTACCACCATCCACTGCCGTCTTACCGCCACCATGGCCCTCT
>EP32003 (-) Mm AspAT cs; range -499 to 100.

TGTGTCCAAGCGGACCACTAGAGTCTGTGCCAGACACTTGCTGTACGCCGGGCTGGC
CAACGCAGGAACGTGCGCACCGCGGAGCCTGGCGGCGACAGTCACTGCTCAGCGGGTA
CAGAAAGACCTGTTCTCTGCTTTCCCGCGGGCGGCCACCGCCCGAGTCTCCAGGCCC
CAGAAGGTCAAGAGGTTGTCTCTGGGACTCCCGCCACCGCACCATCTCATCACCCC
AAGGAATAAAAGCCTCAGCGATTGGAACACGCTACGCCAATCATCTAGCCTCTGCCAC
ACCTCCTCCGGTGTACATTGCATTGGTTGCATCATACAAGCCTCCGATAAGATCCTCTTC
TCGAATTGGCTAGTAGAGGCTTGCCCCGCTAACCTTCTTAGTCGGAAGGTTGTGATTG
GTTAAGCGCGTTGCCAAGCTCCGGACGCGGCTCGACCATTGGAAGCCGCGGGCTGCCCG
CCCGCCGGCGAAGGTGAGAGTCTCTCCAGTACCGGACCCCGCACCGCACAGAGTGTCT
CCCGGCTCGTTCTCAGGTTCTCGGCACATTCTGTGCGATGGCGCCTCCATCAGTCTTTG
>EP32004 (+) Rn AspAT cs; range -499 to 100.

CAGTGTGCGGGACTTGGCTGTACGCCGGCCTGGCTAACGCAGGAACGTGCGCAGGAACG
GAGCCTGGCGGGGACACCCACCTGCTCAGTGGTACAGAAAGACCTGTTCTCTACTATTC
CGGAGGGCGGGCCACCGCCCGAGTCTCCAGGACCCAGAAAGGTCAAGGAGGCTGTCTCTA
GGGACTCCCGCCACCCGCATCATCTCATCACCTAAGGAATAAAAGCCTCAGCGATTGG
AACACGCTATGCCAATCATCTAGTCTTTGCCACGCTCCTCCGGTGTCCACTGCATTG
GTTGCATCATACAAGCCTCCGATAAGATCTCTCTTGAATTGGCTAATAGAGCCTGTGTC
CCGCCCAACCTTCTTTGTGGAAGGTTGTGATTGGTTAAGCGCTTGCCAAGCTCCGGG
CGCGGCTCGGTATTGGAAGCCGCGGGCTGCCCGCCCGCGGTGAAGGTGAGAGTCTCC
TCCAGTCACAGGTCCCGCACCGCAGGAGCAGTCCAGCTCGTGTGAGGTCCCTC
AGATTCCATCGCGATGGCCCTCCATCATTCTTTGCCAGGTTCCACAGGCCCCGCGGT
>EP07079 (-) Rn TAT; range -499 to 100.

ATTTGTTTTTCCCTTGAATGCGGTTGAATTTTTGTGGATATTACCGTTGTCCGTAGCAA
ATCCACATATGGTAGATGGGTATTCAACCAAACTCTTATCATTGCTTATATCCAGGAGT
GAGACTAGAGTGACAGAGAAAGGGGTACCAGAAGGACCCTCGTTTAAATGTATTTCTGT
ACTGTTAACACAATTTTCATAACCAAAAAGACCAATAAAGTTAATCACTGTCAACCCAA
CTGCCCTCCACATTTTCTCAAACATCTACCAAATGACTAGAAAGAGTTAACAGGATTC
CAGATACTTGATGTAAGGACAAATCCAGATTGGAAGGTGGCCAGGGTTGGGGTGAGAA
ACAGCAGATGCGGGGTGGGGTATGGGGGTAGGTCCGGGGGAGGGACTTAGTTCTCACTC
TCAACCAATAGCACGAAGGCTTCGGGGCCCAACGCCATTGGCTGAAACTATTTCAAGGGT
CAGGACTGCACCTGAGCTCATCATCAGAGGACTTGGTGGAGGAGAGCTTATAGGTTTGGC
TGCTGGGAGGCTGCTTTGCTGGACTTGGAAGGTAATCCCTGAGGTTCTTACACTGTGA
>EP14049 (+) Mm TAT; range -499 to 100.

TTCCTTGGAGTGCAGTTGAATTTTTGTGGAGATTCCCATTTGTCATAGCAATCCACAT
GCAGTAGATGAATAGTCAACCAAGCTCTTATCATTGCCCATGTCCAGGAGTGAGACTGGA
GTGCACAGAGAAAGCACTACCAGAAGGACCCTCATTTTAAATGCATTTCTGTACTGTTAAC
ACAATAGTTTTTCATAACAAAATAAGGACAATAAAGTTAATCGCTGTCAACCCAACTGCC
TCCACAGTTTCTGAAACAGCTCACCAATGACCAGAAAGAGTTAACACAGAGAATTCCA
GATAACGTGATGTGTGGACAAATCCAGATTGGATGGTGGCCAGGGTTGGGGTGAGAAA
CAGCAGAGTGTGGGGGGGGGAGTGGGGGGAGGTCCAGGGGAGGGGCTTAGTCTCACTC
TCAACCAATAGCATAAGGGCTTCAGGCCAACGCCCATTTGGCTGAAACTATTTCAAGGGT
CAGGACCGCACCTGAATCATCATCAGAGGACTTGGTGGAGGAGCGCTCGTGGGCCTTAT
AGGTTTGGCTGCTTGGAGACTGCTTTGCTGGACGAGGAAGGTAATCCCGGAGGTTCTCT
>EP11115 (+) Rn T0; range -499 to 100.

GCTGTTGGTTATGAGGAAAAAGCTAAGCCAGATGAATTCTAATACAGGCTGGGTGTGGCT

CTCATATGCACAGCGAGTTCTAGTGAGTTTCATTTGCCAAGGACATGCCAATTCTTATTT
CTCAGAAGTTGGAAGACTACCGCACCGGGAGAAATCAAACCTTTTGTCTATGATGTCATGT
TCTTTAAGGATTCTTATGCTGATAGAAAAGCTTTGTTGGAATTAAGTAGTTAAATGTAAA
TGTCTATGGACTTGGCCTCTATTGATTTATCTGATGTCTTCTATGTTAGATATAAAAAGCT
CAACTTGGCAAGTTAGAGGATTGATTTGGCTCACCTGCCAGCAAACAAGCTGTGCCCA
ACACAGATCCACCCTTGAGTTACCGAGGTTGAGTTCTGAACAGTACGGATGAGATCCTG
GCTAAGAGTGTAAAGCTGGGTGCTGATTGGCTGTGTCTGGTAATCAGGATACATAAAAAGGC
AAGCACGAAAATATCTGGGAAGGTTGATACTGTTTGTGCTCTAGCAAACCTGTGTGCTCC
TGGGACGCATCACTACCATGAGTGGGTGCCCATTTTCAGGAAACAGTGTAGGGTGAGTGT
>EP15033 (-) Rn TH; range -499 to 100.

AGCCCCAGTGCCAGCACATATACCGACTGGGGCAGTGAATAGATAGTACACTTTGTTACA
TGGGCTGGGGGGAACATGGCCCATGTCCTGGAGGGGACTTTATGACAGACATCCAAAAAT
CCAGTGAGAGGGCTTCTAGATTTGTCTCCAAAGGTTATAGTTCTAACATGAGCCCTTAGG
AAATCCAGCATGGTTCTCCCTGTGTGCCCTGGTTTGGTTAGAGAGCTCTAGCGGTCTCCT
GTCCACAGAATACCAGCCAGCCCTGCCCTACGTCGTGCCCTGGGCTGAGGGTGATTCA
GAGGCAGGTGCCTGTGACAGTGGATGCAATTAGATCTAATGGGACGGAGGCCCTTTCTCGT
CGCCCTCGCTCCATGCCACCCCGCCTCCCTCAGGCACAGCAGGCGTGAGAGGATGCG
CAGGAGGTAGGAGGTGGGGACCCAGAGGGGCTTTGACGTCAGCCTGGCCTTTAAAGAGG
GCGCCTGCCTGGCGAGGGCTGTGGAGACAGAACTCGGGACCACAGCTTGCACTATGCCC
ACCCCCAGCGCCCCCTCGCCACAGCCCAAGGGCTTCAGAAGGGCCGTCTCAGAGCAGGAT
>EP30008 (+) Hs TH; range -499 to 100.

GTGGGCAGATGGCACTCCTAGGAACCACGTCTATGAGACACACGGCCTGGAATCTTCTGG
AGAAGCAAACAAATTGCCTCCTGACATCTGAGGCTGGAGGCTGGATTCCCCGTCTTGGGG
CTTTCTGGGTGCGTCTGCCACGAGGTTCTGGTGTTTCATTAAGAGTGTGCCCTGGGCTGC
CAGAAAGCCCCCTCCTGTGTGCTCTCTTGAGGGCTGTGGGGCCAAGGGGACCCTGGCTGT
CTCAGCCCCCGCAGAGCACAGCCCCCTGTTCCCGCAAGCCCGCGGGCTGAGGATGATT
CAGACAGGGCTGGGGAGTGAAGGCAATTAGATTCCACGGACGAGCCCTTTCTCCTGCGCC
TCCCTCCTTCTCACCCACCCCGCCTCCATCAGGCACAGCAGGCAGGGGTGGGGGATGT
AAGGAGGGGAAGGTGGGGGACCCAGAGGGGCTTTGACGTCAGCTCAGCTTATAAGAGGC
TGCTGGGCCAGGGCTGTGGAGACGGAGCCCGGACCTCCACACTGAGCCATGCCACCCCC
GACGCCACCACGCCACAGGCCAAGGGCTTCCGACGGGCCGTGTCTGAGCTGGACGCCAAG
>EP42001 (+) Hs BCKDHA; range -499 to 100.

CCTCCTCCATCGCGCCGAGCCACGTGCGGCTGCAGTTGCACTTCCGCCTGGCAGCGCG
CGCCGCAAACAGGCTGCGTAACCAAGTGCGCACGCGCCGGGCTGGGCCATCCTCCTGGGCG
TCCGCACGTGGCTTAGCGTTTACCAACAATCTGGCTCCGCCCAGTCCCACCTCCTAACTC
TGGCAACGCCATTGGACATTTGGGAACAGAAGGCAGGCCTTGGCATTGATCCGCTTTACT
CTGGGCCCCCGGCCCTAAATCCCTGAGGCCCTGGTCAGGTTGCCCTCTTCTTTGCCTGT
TACAGGAGTAATAACAATGAGGCGATTGGAGAAAATTTGGGTAGATAGATTTTTTTTTTC
TCCAAATCTCTGTGCATTCTATCTACCACAGAACGGGAAGAAGATGGTTTTCTTGTGAGA
TGGTGCTGGAGTTTGCCTCAGGCACATAAAGAGGCAGCCCCGAATCTAGCCTACGTGAGT
GCCGGACCGTGAGTGTTTGTAGCCAAGATGGCGGTAGCGATCGCTGCAGCGAGGGTCT
GGCGGCTAAACGTTGGTTTGAAGCCAGGCTGCCCTCCTGTGCTGCGGCAGCCTGGGGCTC
>EP47007 (+) Hs HDC; range -499 to 100.

TGCAACAACAGATAGTATGTTGTAATAGAAAAATCCATTGTGGTCAATGATAACTTCTGC
CTGTTCTTGGGCACAGGGGGCATCACTATTAGTGCCTGTTCCCTCCCTACTGCTGAT
AAGGAAACAGGGGCAGGAATAATACTAATAATTTGTGCTACTTTTTCTGCATACCCTTGG
CCTTATTCTGGTCTACTGAGCTGGGAGCTTGTCTGAGGCTGGAGCTCTATTGTCTGAATC
CAGGGGCAGAAAGAACTGAGGGCTTTTTACGGCATCCACCTGGAGGCTGCCTGCAGGCT
TGGGTTGCTAAGTGCAGCTGTTAATTTAGAAGCGCCTTTTATCCTGGCTCTTTGACCAG
TCAAAGTTGTGGTGCCTGTTTTTACAAGGACTGGGGAAGAAAGGGTGAATTAATTA
ACCTGGAGGAAGGGACTTTGAAGGGCGGAGCTAAGGTCAAAGAAAGAACCCCTTTAAATAA
AGGGCCCACACTGGCTGCCAGGGAGTGCGCAGGACTGGCAAGAGGGAAGCCGGGCTGCTC
CACGCCTTTACGCCTTCCACCTCCTGCGTGTCCATCTGTGAGAAGGAGCCAGAGCCCAA
>EP47012 (+) Hs[NOS2] iNOS; range -499 to 100.

GGCATCATCTAATCACTGGCCTTCTGGAACTGGGCATTTTCCAGTGTGTTCCATACT
GTCAATATTTCCCCAGCTTCTGGACTCCTGTCAAGCTGGAAAAGTGAGAGGATGGAC
AGGGATTAACCAGAGAGCTCCCTGCTGAGGAAAAATCTCCAGATGCTGAAAGTGAGGC
CATGTGGCTTGGCCAAATAAAACCTGGCTCCGTGGTGCCCTATCTTAGCAGCCACCCTG
CTGATGAAGTGGCACTTGGACTTGGGACCAGAAAGAGGTGGGTGGGTGAAGAGGCACC
ACACAGAGTGATGTAACAGCAAGATCAGGTCAACCCACAGGCCCTGGCAGTCACAGTCATA
AATTAGCTAACTGTACACAAGCTGGGGACACTCCCTTTGGAAACCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAGAGACCTTTATGCAAAAAACACTCTCTGGATGGCATGGGGTGAGTATAAATACTT
CTTGGCTGCCAGTGTTTCATAACTTTGTAGCGAGTCGAAAACTGAGGCTCCGGCCGAG
AGAACTCAGCCTCATTCTGCTTTAAATCTCTCGGCCACCTTTGATGAGGGGACTGGGC
>EP59005 (+) Mm GPT P1; range -499 to 100.

AGTAGTCTGTAATTCAAAAGGGGATGGACAAAACGCCATGTTATTGTCAACTCCCTAACT
CTCTGTGGTGGATTCTCTCTGTGAGGAAAAACATTTGCCACCTAAGGGATCAATATTCCAGT
GAACTGCTGTACTACTAGCGTGTACAGGTGTCAAAAGGCAAGTAAGTGACTGGGAGGAAG
AAACTTGACTGGGAGGAAACCCACAAGCTCACTGGAGGTATGGACAAGCTCTCTGCGCTC
GTTAGTTATTTGCAATGCGTCGTTTTCTGTCTATTTGGAAAGCGTTGGCACAGTGCTGTG
ATCCAACATCAAGTTTAAATCCCTGCTTTAATCGAAGACCTGAAAGCTCAAACAGTTTCC
TCTTGGCGAAATGACGCGGTAGGTTGCCAGCAACAACTGCTATAGTGGAGGCAGAAGG
TGGGTGGGTTGTGGGAAAAAGTACCTGGATCATGAACAAGAAAAAGGCGGGAGGGGCTTT
TCGAGTGTCTGAGCTTCCAGGTTTTAAAAACCTCCAGATTGTTCTGAGTTTCTGGAA
CCAGTGTTTACGTCGGCAACAGTTTTCTGCAAAGAGCGGGTGTGCTTCCACACTCTCAT
>EP59004 (-) Mm GPT P2; range -499 to 100.

TTTAATCCCTGCTTTAATCGAAGACCTGAAAGCTCAAACAGTTTCTCTCTGGCGAAATGC
AGCGGTAGGTTTGCCAGCAACAAATGCTATAGTGGAGGCAGAAGTGGGTGGGTTGTGG
GAAAAGTACCTGGATCATGAACAAGAAAAAGGGCGGAGGGGCTTTTCGAGTGTCTGAGC
TTCCAGGTTTTAAAAACCTCCAGATTGTTCTCTGAGTTTCTGGAACCAAGTGTTACGTC
GGCAACAGTTTTCTGCAAGAGCGGGTGTGCTTCCACACTCTCATTCTTCTGACCACG
GCCAGCTCTCAGTAGCCATATTTCCAGCCCCAGGGCATCCCAGACTAAGCTCAGGCTGCT
AGCCCTTTAAACCCGACCTGCGAGGGAGACGACGTGGAACCAAGAACTAGCGGTGTGAG
CCACGTGGTACGAGGAAGCGTTTCATGTTGGAACCTGGGCAACCAAGCCTATTTCCACTCTGAGC
TGACAATATGATTGTTTCGAGAGATTCACGCTTCTGTATTTTCTTCAGTTGAGTTTTT
AAAAACGCTAATGGTACCACTCCTTTAGAACTAAAGCTTTGTTTAAAATAACACTACCGG
>EP59003 (+) Mm GPT P3; range -499 to 100.

CAGCGGTAGGTTGCCCAGCAACAACTGCTATAGTGGAGGCAGAAGGTGGGTGGGTTGTG
GGAAAAGTACCTGGATCATGAACAAGAAAAAGGGCGGGAGGGGCTTTTCGAGTGTCTGAG
CTTCCCAGGTTTTAAAAACCTCCAGATTGTTCTCGAGTTTCTGGAACCAAGTGTTACGT
CGGCAACAGTTTTCTGCAAAGAGCGGGTGTGCTTCCACACTCTCATTCTTCTGACCAC
GGCCAGCTCTCAGTAGCCATATTTCCAGCCCCAGGGCATCCCAGACTAAGCTCAGGCTGC
TAGCCCTTTAAACCCGACCTGCGAGGGAGACGACGTGGAACCACAGAAGTACGGGTGTCA
GCCACGTGGTAGGAGGAAGCGTTTCATGTTGGAACCTGGGCAAAGCTATTTCCACTCTGAG
CTGCACAATATGATTGTTTTCAGAGATATCCAGTCTTGATTTTCTTCAGTTAGTTTTT
CAAAAACGCTAATGGTACCACTCCTTTAGAAGTAAAGCTTTGTTTAAAATAACATACCG
GTCCGGCTACAGTGCCCCGTTTTAAAAATGGTGCTTCGGTCTTCAGCAGCGATAGTCTTT
>EP59002 (+) Mm GPT P4; range -499 to 100.

TGGAGGCAGAAGGTGGGTGGGTTGTGGGAAAAGTACCTGGATCATGAACAAGAAAAAGGG
CGGGAGGGGCTTTTCAGTGTCTGAGCTTCCAGGTTTTAAAAACCTCCAGATTGTTCC
TGAGTTTCTGGAACCAAGTGTTCACGTGGCAACAGTTTTCTGCAAGAGCGGGTGTGCT
TCCACACTCTCATTCTTCTGACCACGGCCAGCTCTCAGTAGCCATATTTCCAGCCCCAG
GGCATCCCAGACTAAGCTCAGGCTGCTAGCCCTTTAAACCCGACCTGCGAGGGAGACGAC
GTGGAACCACAGAAGTACGCGGTGTGAGCCACGTGGTACGAGGAAGCGTTCATGTTGGAAC
TGGGCAAAGCCTATTTCCACTCTGAGCTGCACAATATGATTGTTTTCGAGAGTATCCACGT
TCTTGATTGTTTCTTCAGTTGAGTTTTCAAAAACGCTAATGGTACCACCTCTTAGAAGTA
AAGCTGTGTTTAAATAACACTACCGGTTCGGGTACAGTGCCCGTTTTAAAAAATGGTGCT
TCGGTCTTCAGCAGCATAGTTCTTTCGCAATTAAGATCCGGGTGGAAACAATGGGTAGG
>EP59001 (+) Mm GPT P5+; range -499 to 100.

CTCCAGATTGTTCTGTAGTTTCTGGAACCAAGTGTTCACGTGCGCAACAGTTTTCTGCAA
AGAGCGGGTGTGCTTCCACACTCTCATTCTTCTGACCACGGCCAGCTCTCAGTAGCCAT
ATTTCCAGCCCCAGGGCATCTTAGACTAAGCTCAGGCTGCTAGCCCTTTAAACCCGACCT
GCGAGGGAGACGACGTGGAACACAGAACTAGCGGTGTGAGCCAGTGGTACGAGGAAGC
GTTTCATGTTGGAAGTGGCAAAGCCTATTTCCACTCTGAGCTGCACAATATGATTGTTTCG
AGAGTATCCACGTTCTTGTAATTTCTTCAGTTGAGTTTTCAAAAACGCTAATGGTACCAC
TCCTTTAGAAGCTAAAGCTTTGTTTTAAATAACACTACCGGTCCGGCTACAGTGCCCGTTT
TAAAAATGGTGCTTTCGGTCTTCAGCAGCATAGTTCTTTGCAATAAGATCCGGGTGGA
AACATGGGTAGGTGCAGCGGGCAGAGCCGAGGTTGCTTCTCTAAGAGCTTCTTGCTGGTC
AGGAGGGAGGGTCAGGTCTAGCGTCTTAGCTGGGTTTTGTTCCCGTGCGCGCGGAATCC
>EP11116 (+) Ma HMG-CoA synt. cp; range -499 to 100.

[illegible]

>EP16050 (+) Hs HMG-CoA red.; range -499 to 100.

CATGGCCGCTCCGCTTCCCTCCATCTCTCCGCGCTAGTAAGTGAAGTTCAGTCATCG
ACCTGACCCTGCGTTTTCCCTCACGCTCCGATTCTGCTTCTATCACTGCCTCCTACTGT
ACTATCACAGCCAGGACGAGCACGGGTGAGGCTGTGGGACACTCCACCCGCC
TGGTCCCCTATCGCTCCGCTAGGCAGCTGCCATGCGTGCGCCCCACAGCTCTAGGAC
CAATAGGCAGGCCCTAGTGTGGGACTCGAACGGCTATTGGTTGGCCGAGCCGTGGTGAG
AGATGGTGCGGTGCCTGTTCTTGGCCCTGCAGAGAGCTGTGGGCGGTTGTTAAGGCGACC
GTTCTGTGACGTAGCGCCGTACAGCCGAGCAGCCCCAGGCGATTGGCTAGACAATCGAAC
GATCCTCTCTTATTGGTCGAAGGCTCGTCCAGCTCCGAGCGTGCGTAAGGTGAGGGCTCC
TTCGCTCCGCGACTGCGTTAACTGGAGCCAGGCTGAGCGTCGCGCGCCGGGGTTCGGTGG
CCTCTAGTGAGATCTGGAGGTGAGGCGGGCGGTGACCGAGAAGAGGGGCGAGGGGCGGCGG

>EP16051 (-) Ma HMG-CoA red.; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NNNNNNNNGGATCCCCTATCGCCCGCGAGGGTGGCGTCTTGCTGGCGCCCCGCACGGCTC
AGGGACCAATAAGAAGGCCGCGATGCTGGACCTCGACCAGCTATTGGTTGGCTCGGCCGT
GGTGAGAGATGGTGCAGTGCCTGCTTCTCCGCGGGGTGCGAGCAGTGGGCGGTTGTTAA
GGCGACCGTTCTGTGACGTAGGCCGTGAGGCCGAGCAGCCGCCCGGCGATTGGCTAGGCGA
TCGGACGATCCTTTCTGATTGGCGGCCGTGGCGGCCGAGCGTGCGTAAGCGCAGTTCC
TTCCGCCCCGAGGCTCCGTTGACTGGAGACGGCGGCTGGGCGGCTTGGGGACCTCCATTG
AGATCCGGAGGTGAGCGGGCAGACTCTGGGGACCGCCGGGCGAGTGGCCGCGGGGCTGGC
>EP17058 (+) Hs LCAT; range -499 to 100.

GGACTTTACTATCTAGCACCCAGTAGGCCTGTCTTGCCAGAGAAGACTGGTAGGGGCC
GAGTGGGGTTTGAAGGCAGCCGGCCCGGCCAGCCAGGAGCGCTATTTATTGCATATTT
ATTGTTTGGATGTACCATCAGAGACGAAGGGAAGGGTAGCCAGGGAGGAGTCCAGCCC
AGCTGCCTGCAGGAAGATCTGGCTCAGTCTACTATGGGCAGGGCCCCCACCAGCTGAG
CCGAATGGAGACAGCTGAGCTGAGGCCTGACTTTTTCAATAAAACATTGTGTAGTTCTGG
GCCTCCTGTGCCCCGGCTCTGTTTCCCTGGCGCCAAGAGAAGAAGCGGAACTGAACC
CAGGCCCAGAGCCGGCTCCCTGAGGCTGTGCCCTTTCCGGCAATCTCTGGCCACAACCC
CCACTGGCCAGGCCGTCCCTCCACTGGCCCTAGGGCCCTCCACTCCCACACCAGATA
AGGACAGCCCAGTGCCGCTTTCTCTGGCAGTAGGCACCAAGGGCTGGAATGGGGCCGCCG
GCTCCCCAGTGGGTGACGCTGTCTGGGGCTGTGCTCCCTCCTGCCGCCCTT

>EP14048 (+) Gg ALA-synt.; range -499 to 100.

TCATCCAATTCCAACCCCTGCTATGTGCGAGGGTCGCCAACCAGCAGCCAGGCTGCCCA
GAGCCACATCCAGCCTGGCCTGAATGCCTGCAGGGATGGGGCATCCACAGCCTCCTTGG
GCAACCTGTTAGTGCGTCACCAACCCCTGGGTGAAAAATCATCTCCAAAACAGCGGCA
CCACAAGTGGGAATGAGAAGCTGTGAGATTTGTGCTGGCTGGAGGCAAAGCGTGAGGGC
CGGGATCCTTACGCCACCAGGCAGAACTGTGTTAGTGCATCCCAGGGCCCCCTCATGGC
CCCTCATGGTCCCCCATGGTCCCTCAGAGCCCCCGGGGCCCTCACCACCACTGGGAC
CAATCACGGCTCGGAGCGCAGACAAGCCCCGCCACTCCATCACGCCACGCCTCCTTGG
GGGCGGAGCATAAATTACCCTCAGTGCGCCTGCGCGGAGCCGGCAGGGCTATATAAGGGC
GGCGGCCGGGAGTCGGGGCGCTGTTGCTTTCCGCCCGCGTGGGGGTGACAGCTGCGTG
ACGTCACTTCCGGTCGGCGGTAGCTGCGGCAGGAGGAAGGATGGAGGCGGTGGTGCGGCG

>EP26007 (+) Hs PBGD H E1P1; range -499 to 100.

AAATGCTGGCTGGGCCAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCG
AGATGACTGCTTGAGTCCAGGAGTTCGAGACTAGCCTGGGCAACATAGTGAGGCCACCTC
CCCGCTGTCTCTATAAAAAAATCTAGAAATTAGTCCCACGTGGTGATGTGCGCTGTAGT
CCCAGTGTCTTGGGAGGCTGAGGTGGGGGATCGCTGAAGCCGGGAGGTCAAGGCTGCAG
TGACCCGTGGTTCATGCCGCTGCACTCTAGTCTGGGGACACAGTGAGACCCCGTATCAAAA
AGAAAAATGCTGCCTATTTCAAGGTTGTAGCAAAGCTAAGTTTGAACAGAGCAAAGGAAG
CGCCATAGAAGTGCCTACTTGTCTCATGTACAGCTGGGGAATGGGGTGGTGAATGGG
GAGGTCCACTGTGCAATGTTCAATTCCCGCCAGAGGGAGGGACCTCCCTTCGAGGG
AGGGCGCCGGAAGTGACGCGAGGCTCTGCGGAGACCAGGAGTCAAGTGTAGGACGACCT
CGGGTCCCACGTGTCCCGGTACTCGCCGCGCGGAGCCCCCGGCTTCCCGGGGCCGGGG

>EP26008 (+) Hs PBGD E E2P2; range -499 to 100.

TTTTCATTTTATAGATGAACAAACAGATCCTGGTGGGACAGTGTAACCAAGGTCACCCAG
CCAAGAGGCTGAGCAGGACTGTACGTACAGTCCGTTTACCTCAGTCCCTAATGCATGCAG
TCCAGCCAGATTAAGGGACCTTAATACTGTGAGCTTTCCCCACTGTGGGATCTTCATCC
TCTTGACTTCTTTGTAGCCAGACATCTGGGCCTCTTGCTGGAGAAGGTGGCAGCTTGCT
GCTCTTAGACTCTAGTCTACTCCATGTGGCATCTGGATGGCACTGAAATTTTCTCAAGTG
CCTTGTCTGTTGTAGATAATGAATCTATCTCCAGTACTCAGCACAGGTTCCCCAGTGT
GGTCTGGCTGCCCTGCCCTGCCAGCTGCAGGCCACCCCTTCTGTGGCCAGGCTGAT
GGGCTTATCTTTACCCACCTGGCTGTGCACAGCACTCCACTGACAACTGCCTTGGT
CAAGGTGGGCTTCAGGGCTCAGTGTCTGGTTACTGCAGCGGCAGCAACAGCAGGTCCTA

CTATCGCCTCCCTCTAGTCTCTGCTTCTCTGGATCCCTGAGGAGGGCAGAAGGTACTGAG
>EP17059 (+) Hs UROD; range -499 to 100.

TGTTTGTCACTCCTAATCCCAAGGACACTGGAGATCATTATTTCATTTTAATGTGATTGCT
GATTTCTGTTTCCCCAGTCTTGTAGCTCCTTAAAGGCTGGGGCTGTCTTGAGCAGAGCTA
ACCTCTGCACCTACTATAGGTCCAGGCTATAGTATGGACCTGGCTGGATAAGACTGTTGG
TATCATGAGTGGGACTTGCGCCAAGCCTCCGGATACCCAGACTGTCAGATGAGAACAAAT
TCCTCATGTACCGTAAGATACATTTACAGCGGAGTTTTCTTTGGGCCTTTGTTGTTGC
GTCGCTACAGCAAACCTTTACGGTGAAAAAAGGTAGGGGTCTACGGGCAGCAGCCAGGGC
AGCCCTGGAGCTGTCGCTGGAGTCCGATCATGTGATCTTCAACATGGCGACGCTCTTGGT
TCCCTACAGAAAGGGGCGGAGCCTGGACTGGGGGGCAGGCTCAGATTCAGGTTAAATTGT
GGATTGAGCTCGCAGTTACAGACAGCTGACCATGGAAGCGAATGGGTTGGGGTGAGTTCT
CCAGAGCACGCGGTGTGGCTAGCCGGGCTTCTAATTTGAGTCTTCCAACCTCAGGACTCTA

>EP31003 (+) Rn heme oxygenase; range -499 to 100.

GTGACACATGGGGATGAACCTTGAAAAAGTCAGTCTAGGCAGGTGTTAGTAAACAAACA
GGACTATGTACATAAAGGATTGAGAAAACCAAGTCATCCTTAGAGTTCGGGAAGGTAGAC
TCAAGTATGTAGACTTGGGGCCCGGATGGGTCAATCCCTGGGTTTGCCACCAGCATCTC
ACAGCTAGAATTGTCTCTCTAGTCTGGAACCTTCCAGATTCCTGAGAGGCTGGCTACTCC
TGCCCTTCTATCACTGAATAGAGTAGAGGGTTCTGGAAAGGACCCAAAAAATTCTGCTAA
GAGGCAATTCACCTCAGATTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGAGCTTGCCAGAGT
CATATGATTTATCCCATACAGGCCAGGCCGACCAGCCTCGGGGCGGGGTGTTGCAACAA
CAGCCAGAACGCCGGCTCAGCTGGGCGGCCACCACGTGACTCGAGTACTTAAAGGGCTGG
CGCGGGCAGCTGCTCGCTCACAGTCGCCAGTCGCTCCAGAGTTTCCGCCTCCAACCAGC
GAGTGGAGCCTGCCGGAGCAGAGCCATCTCGAGCGGAGCCCGGAGCCTGAAGCGAGCGGA
>EP47009 (+) Hs DDH hepatic; range -499 to 100.

AAAAAAGTCATGCATATAAAAAATTTTAACTTTAATTTTAAATTGAGGGCAATATTTTAA
AGAAATGCTCATTAGTCATTCCTTTAAATTGTGTGTGTGAGAGAGAGAAAAATGAAAAAT
AGTCATTTCAAATGCTGCAAGATGCAGAAGGAACTCATCATCATGGCACACAAAAAAG
AGCTGTGCCACTAGAGGTTTCTATATTCTTATGTAAAGTCACAATTTGTTCTACAAATCT
CTTTGAGTAATTTATGTCTCATATATAGAGTCTGGAATAGGCAAAATCTTCAGAGGAAAT
TAATGAGTGTATCATGACCACATAATAATTTACTTATGAATTTTCTTAGGTAAGAAACGG
TTGAACTGGATGCAATTTTATCACAGGCTTTGTGTAAGACTGGCCTCTGTCCCCCTCT
TCACATGCCATTGGTTAACCAGCAGGCAGTGTGCTCAGGGCGTTGCCAGCTCATTGCTCT
TATAGCCTGTGAGGGAGGAGAAACATTTGCTAACCAGGCCAGTGACAGAAATGGATTGCA
AATATCAGTGTGTGAAGCTGAATGATGGTCACTTCATGCCTGTCCTGGGATTTGGCACCT
>EP11117 (+) Rn PEPCK hepatic cs; range -499 to 100.

CAGACTTTGTCTAGAAGTTTCACGTCTCAGAGCTGAATCCCTTCTCATGACCTTTGGCC
GTGGGAGTGACACCTCACAGCTGTGGTGTGTTTGACAACCAGCAGCCACTGGCACACAAAA
TGTGCAGCCAGCAGCATATGAAGTCCAAGAGGCGTCCCGGCCAGCCCTGTCCTTGACCCC
CACCTGACAATTAAGGCAAGAGCCTATAGTTTGCATCAGCAACAGTCACGGTCAAAGTTT
AGTCAATCAAACGTTGTGTAAGGACTCAACTATGGCTGACACGGGGGCTGAGGCCTCCC
AACATTCATTAACAACAGCAAGTTCAATCATTATCTCCCAAAGTTTATTGTGTTAGGTC
AGTTCCAAACCGTGCTGACCATGGCTATGATCCAAAGGCCGGCCCCCTACGTGAGAGGCG
AGCCTCCAGGTCCAGCTGAGGGGCGAGGGCTGTCTCCCTTCTGTATACTATTTAAAGCGA
GGAGGGCTAGCTACCAAGCACGGTTGGCCTTCCCTCTGGGAACACACCCTTGCCCAACAG
GGGAAATCCGGCGAGACGCTCTGAGATCTCTGATCCAGACCTTCCAAAAGGAGGAAGAAA
>EP17060 (+) Gg aldolase B; range -499 to 100.

ATAATGCCTAAGAAGCCTCAGGAGTGACAGTAATTCATGACAGTGAAGGGTCTGCCCCAT
GGCTCTGCATTTTGGTTTCTCATCTTCTTGTGTTGTACAGTGTAGTTTCTGAGGATAAGC
TTTCCAAAGAAAGCTTTCCAAACCTACACTGAAAGTTATACCCAAAATCCCTGTAAGAAC
TTTCAAGTGCTTTCTCTTGTAAATTATTCAAAGACATGTTTTAGAAGGAGGAGGAATAGTTT
GAAATAATTGAAAAAGTCTCAGTTTACAGCACTGTAAATTGCATTATATAGACGGGGGA
GGGAAAGTGGGCGGAAAAGCAGGGACAGCAATAGGTCCAATGATTGCGGGTGGTTGCTG
TTTAGCAGCCAATCAGCTATCCTGGGCAAGGACATCTGCCCAACCAGCCAGAGAGGAGG
GAGAATAAACGAGTGTGGGGGGGAAAAAACAACACTGGCAAGAATTTTATAAAAGT
TAGCGACTGGAAGGAGTGGGTCTCTTGGCTGCAGCCACCTCACCAGAAGCTTGAGCAG
CAAGGCACTGTCCAACAGCAAGTAAGTGTAGCTATTTGTTTCTAAGCTGTAGAAGTGGTA
>EP11118 (-) Rn aldolase B; range -499 to 100.

GAACCCAGTGCTCTTGTGAGGGGAAATCTCATTCTCCAAAGGAAGAAATTAAGGATCGAA
AACTAAAAATAAATAAACCAACACATGAATGTCTTGGAGAGCCTGTGTGTTGGAAAG
CTCAAGAAGTTAGTCAACCCCAACCCAGAGCCTCTTGACAGATCCAGCTTTCAGTCGAT
ATCCTTCACTGGGGCAAGCCTCGTAGTTTCTCCTCACTGTGTGAACGGGGGAAGGACGTAT
TATAGTCTCCTCACCTGTACAGAGTCAGGTCTAGATTGGGAGCTGTGTAATCTAAAGACT
CCCTTGTAGCTCTGACATTCTACGAGCGTGAGGAGTGTGTGAGCCTGATTACAAAGATTG
GCTGTTACGCGCCAATCAGAGTTATTGAATAAACACCTCCCTACTGGATCACTGGCAGG
AGGAGGAGGGCAAAAGTTAAAAAATAATCCACCAGACTTTGATAAGAGGGCTATAAA

452/812

GGACACTGGTGC GGGGGTGC GTAGGGGAGGGGTGGAGAGTAGGAGCTGCCTTATAACCCA
GCCCTGGGCCGCGGGGCTCACTCGCTGCTGACCAAGGCTCTGCGGCTTCTTTACTGCACC
ACAGGTGGGCCGCTAGCTGGATTGGAGGATGGGAATGGGGGTTGCGGATTCGGGCCTGGG
>EP26016 (+) Hs ALDOA E3P2; range -499 to 100.
TTTTAGGAGGTGAGTGTAGTGCCAGTATCTACTCTCCTTCTTAAAAAAACCAGGGCTCC
AGAGAATCAGAACAGCCACCATCACCGCAGGGAGTCAAGGGAGGAGGGAGATTAGAGAAG
GAGCCAGGGAGGGTGGCAGGGAGGCCACGTGATCCGAGTCCCCTACCCCTTTCTTCCC
ACAGGTCCCTGGCCAAAGATTATTTCTCTTGACAACCAAGGGCTCCGTCTGGATTTC
AAGGAAGAATTTCTCTGAAGCACCGGTGAGTGGGCAGGGGCTCCCTCCCATCAATAGG
GCCGACCCAAGTCTTCTCCCTTCCCATGCGGGGCCACGATAGTGTGAATGTCA
GGGGCTTCAGGTTTCCCTAAATATAGGTCCCTGCCAGAGGATCCGTGGCGGGAAAAGGGC
AGGGGTCAATTAGAGAAGATCGGGGACACATGTGGGGCGGGCAGGAGCTGCCTTATAACCA
GCCCCGGAACCCCTAGCTCACTCGCTGCTGACCAAGGCTCTGCCGGCTCCTTCGGCCTCGC
CGCAGGTGGGCCCTTGCAGGACCGGGCGGGGTGGGGATGGGGTTGGGGTTGGGCCAAC
>EP17062 (-) Rn aldolase A E2P2; range -499 to 100.
TTCCCTATGCGTGCTCTGGATAGGAAGGGATCGAACGCGCCCTGCCCTTAGCCAAGCGC
CGAGGCAGGCAAGCTCGGAAGTCTGCGTTCTTTGTAGTGACGTGAGGCTGCAACTGCAC
AGGCCGGAAGCTAGGGGTCTAGGAGAAGAGGCCAGCCATCATTTACTCTGAACCCCCC
CCGCCGGCCCCCAAACCTCCTCGCAATCCACATTCCGGCTGAGTCACGATGCTCGCGC
GCGCGCGCCAGACAGGACTGGGGGAGGGGGGCTAGGGCCTGGTGACCTGAGGGATGTGG
CTCGAGTCACGTCTAGCGGGCGGAGGAGGGATCTAGTTCTAGCCGCTTGTCTCTCCC
CAGCGCCCCCTCTATCGTAGCATCTTGGGGCGGTGCCGCGACAATGCCCGTTGCAAT
TGGACGGCTCGCGTCCCTGCAAGGGAAAAACCTGCAGAGGGCGGGCGGCGCCTTTAAAT
GTCCGGGGCCCCGCTCCCGTCCCCCCCCACCCAGCTGAATAGGCTGCGTTCTCTTGAA
CGCGCCGAGAACGAGGTTCTGGTGACCCTAGCCGCGTTCCCTCCTTAGTCCTTTCGCT
>EP26017 (+) Hs ALDOA E4P3; range -499 to 100.
CGATTCAGCCCCGCGGGCGAGGCGAGGCTAACGCACGACTGCGCGATGTGGCCCCCTATGGTG
ACACGCGCTGCAGCCGCGAAGACCGGAAGCTGGGGCGGGCCCCGGGCGCGCGCTGGGC
CTGGGAGGCGAAACTCAGCTTCTTCTGTTTCCGACTTTTCCATCCGCGTCTCCACTTCC
CCGTTCCGCCCTCCCCATTGCCAACATTCTGGCTGAGTCACGGCGCCCCAGAGCGCGCC
AGGCTGGGGGAAAGGAGCAGAAGGGAGGGCCCTAGCGACCCGCGGGATGTGGTCCGAGTC
ACGTCCGAGGGGGTGGGGAGGGATCGTGTCTCGGCGCCCCGCCCTTCTAGCGCGGCC
TCTGGGCTCGCCCTCTCGGGGCGGCCCCGTAGCCAGTCCGTGCGCTGCCATTGGACGCC
GCCCGCTCCTCGTAAAGGAAAAAGCTCGGCGGAGGGCGGAGTGGTGCCTTTAAAGGCCG
GGCGCCGCTTCCGCTGCCCGCTCCTGCGCCGCCCTTCCGAGGCTAAATCGGCTGCG
TTCCTCTCGAACGCGCCGAGAAGGGTCTGGTGACGAGTCCGCGTTCTCTCCTTGA
>EP17063 (-) Rn aldolase A E2P3; range -499 to 100.
TTTAGCCAAGCGCCGAGGCGAGGCAAGCTCGGAAGTCTGCGTTCTTTGTAGTGACGTACG
GCTGCAACTGCACAGGCCGGAAGCTAGGGGTCTAGGAGAAGAGGCCAGCCATCATTTAC
TCTGAACCCCCCCCCCGCGGCCCCCCCAAACCTCTCGCCAATCCACATTCCGGCTGAGTC
ACGATGCTCGCGCGCGCGCCAGACAGGGACTGGGGGAGGGGGGCTAGGGCCTGGTGAC
CTGAGGGATGTGGCTCGAGTCACGTCTAGCGGGCGGAGGAGGGATCTAGTTCTAGCCG
CTTGCTCTCTCCAGCGCCCCCTCTATCGTAGCATCTTGGGGCGGTGCCGCGCAAT
GCCCCGCTTGCAATTGGACGGCTCGCTCCCTGCAAGGGAAAAACCTGCAGAGGGCGGGG
GGCGCCTTTAAATGTCCGGGGCCCCGCCTCCCGTCCCCCCCCACCCAGCTGAATAGGCTG
CGTTCTCTTGGAACGCGCCGAGAAGGAGGTTCTGGTGACCCTAGCCGCGTTCCCTCCTT
AGTCCTTTCGCTACCCACCCGCGTACCCGACAGACCCACCCGCTCTGTGCCAGGTGAG
>EP26018 (+) Hs ALDOA E4P4; range -499 to 100.
GACACGCGCTGCAGCCGCGAAGACCGGAAGCTGGGGCGGGCCCCGGGCGCGCGCTGGG
CTGGGAGGGCGAAACTCAGCTTCTTCTGTTTCCGACTTTTCCATCCGCGTCTCCACTTC
CCCCTTCCGCCCTCCCCATTGCCAACATTCTGGCTGAGTCACGGCGCCCCAGAGCGCGC
CAGGCTGGGGGAAAGGAGCAGAAGGGAGGGCCCTAGCGACCCGCGGGATGTGGTCCGAGT
CACGTCCGAGGGGGTGGGGAGGGATCGTGTCTCGGCGCCCCGCCCTTCTAGCGCGGC
CTCTGGGCTGCGCTCTCGGGGGCGGCCCTAGCCAGTCCGTGCGCTGCCATTGGACGC
CGCCCGCTCCTCGTAAAGGAAAAAGCTCGGCGGAGGGCGGAGTGGTGCCTTTAAAGGCC
GGGCGCCGCTTCCGCTGCCCGCTCCTGCGCGCCCCCTTCCGAGGCTAAATCGGCTGC
GTTCTCTCGGAACGCGCCGAGAAGGGGTCTGGTGACGAGTCCGCGTTCTCTCCTTG
AATCCACTCGCCAGCCCGCCGCTCTGCGCGCCGACCCCTGCACACCCGCCCTCTCCTG
>EP30015 (+) Gg GADPH; range -499 to 100.
TCGGGGCTGCGCGGCCAACACGCGCAAGGGCCGAGGACGGGGAGCGGGCAGGCTGCAGCC
TCGCATCGCGCTCTTTGTCCCGCCCGGGCCAGACGCCGTTCTCTGGGTACCCGCGAGGAG
CGCAATCCGACCCACTGTACCGCATCGCGTATGCAGCCGATCGCCCCGGCCTCGTCC
GAGGACGCCACGGCCCCACGTGGGGCTTTGTCTGCACGAGCTCCGCGCCCCCGGGCCC
GGGGCACCCCTCGCGCCCCCACCCGCGACGGGACCGTGGTACGGCAGCAACCCCTAA
GCCACCCCTGAGCCCAACGGCCGCCCTTTGTTGCGAGGGGGAGGGGGAAGGAGAGGAGA

GGGGGGGCCGTTTCGCCCCGACCGTGCGCGCACGTAGCCCCGAGCCCCCGCGCTGC
CATTTCGGCGCTGGCCCCGGCGGGGCGGGGCGCTGCCTCCGTGTCTATAAAGGGC
GGCGGCGCGGCACTGCGCCACCTTCTACTGCGCGCTGGGGCCGTTGACGTGCAGCAGGT
AACGGGCGGGGGGACGTGGGGGCGGAGAAGCGTACCCCCACCCACCCGCTGTCTGCCT
>EP30017 (+) Hs PGK1; range -499 to 100.

AGGATTTTCCAAAAGGAGGTGGCATTTCATTGATCCTGGTAGGGCAGCCTCGAATTCCA
CGGGGTTGGGGTTGCGCCTTTTCCAAGGCAGCCCTGGGTTTGCAGGGACGCGGCTGCT
CTGGGCGTGTTCCGGGAACGCAGCGGCCGACCCTGGGTCTCGCACATTCTTCACGT
CCGTTTCGACGCTCACCCGGATCTTCGCCGCTACCCTTGTGGGCCCCCGGCGACGCTTC
CTGCTCCGCCCTAAGTCGGGAAGGTTCTTGCAGTTTCGCGGCTGCCGACGTGACAAA
CGGAAGCCGCACGTCTCACTAGTACCCTCGCAGACGGACAGCGCCAGGGAGCAATGGCAG
CGCGCCGACCGCATGGGCTGTGGCCAATAGCGGCTGCTCAGCAGGGCGCGCCGAGAGCA
GCGGCCGGGAAGGGGCGGTGCGGGAGGCGGGGTGTGGGGCGGTAGTGTGGGCCCTGTTCC
TGCCCGCGCGGTGTTCCGCATTCTGCAAGCCTCCGGAGCGCACGTGCGCAGTCGGCTCCC
TCGTTGACCGAATCACCGACCTCTCTCCCCAGCTGTATTTCCAAAATGTCGCTTTCTAAC
>EP14050 (+) Mm LDH-A; range -499 to 100.

AGAAGCTGAGCCGACCCCCCTCCCCCATGGTTTGGGAGATGGAAGTGGGGCAGGAGAA
AGCCCCATCTGATAGGCTGCTATGGCGGATAGACCGGCACGGTGCTGGCATGTGCTTTCA
CACAATATTTACTGAAGGCCTGTTGCTTGCCAGGAGTTGTTCCCGCGCCGGGAACAGCA
ATGAAGAAAGTGACCAGGGTTTTTTCTGAGTCTCACAAGTTTTCCGGTGAAGGAGCGGA
GGATCGATGCATTTCCGGCTCCTGCTTCTGAGGCTGAGGAGCATGTGCGGTTGGCCTTTC
TTTGGGGTGTGCGCAGCACACGTGGAGCCACTCTTGACGGGACATCGTGTGCGCGCGCCG
CCCCGGTCTCGGTGGCGCCTAGCCCCGGTGGACGCCCCCGGCCAGCCTACACGTG
GGTTCGCGCAGTCCGCTGGGCTCCCACTCTGACGTACGCGCGGAGCTTCCATTTAAGGC
CCCGCCCGCGTGTCTGTCTGCGTGTGGAGCCACTGTGCGCGAGCTCGGGCCACGCTGCT
TCTCTCGCCAGTCGCCCCCATCGTGCACTAGCGGTACGGTTGGGCCCCACGCTGCCG
>EP38002 (+) Rn pyruvate kR E1P1; range -499 to 100.

TTGTGATGGCTGAGGAGATCCCTGTACTCAGGTTTCCATGTGTTATCCATACGGCTGG
TCAACAACAATACAAGTTTATGAGTTAGTGCCTAGGAATGTTATGTTTTCATCTCTGGG
TTCTCAGAGGAACATGTGCGAGAACTGAGAGACCCTTAACCTTTAACTACCAAAGGGT
ATCCCTGTTTTCCACAGCCTAGTCCCCACCTTCAAGCTCTTGTCTGAGAATACACCTAA
GATTCTCTTCAATAAAATGCAAGAGAAAGGCATTGTACTGTTGGCAATCAACCAATCTC
TTCTCTAATGATGAGCCAACAATGTGAATGGACTAATGATTGATCAGGAAAAAATAGATG
ACCTAGGGGAAGGGGAGAGATGGGGGCCCCACAACAGGCAGTCCTTGAGAAAGGACTCTG
TGGGGATGGGGTGCCTGCTGGGTGTGCCCTTTTCTATTCTCTGGCTTCTCAGATAAG
ACCAGCAGTTAGGGTACACTCTCCTCCAGTCTGCCGTTCTTGACACACAGTTCCACGC
TTTGGAAGCATGTCTGTCCAGGAGAACTCTACCCAGCAGCTCTGGCCGTGGATCTTT
>EP16052 (+) Rn pyruvate KL E2P2; range -499 to 100.

TCTCTCCAGTCTGCCGTTCTTGACACACAGTTCCACGCTTTGGAAGCATGTCTGTCC
AGGAGAACACTCTACCCAGCAGCTCTGGCCGTGGATCTTTAGGTCCCAAAAAGACTTGG
CAAAGTCTGCCCTAAGTGGGGCTCCCGAGGTAAGAAGAGGAAGGGAAGCCACTGAAGAG
AGAGGAGAATTAGGGTAGAATCAGCGTTGAGAGATGGAGCCCTTGTGGGGTAGGATGCC
AATATAGCCTCACCTCGGCTAAATACAGACCTGATCTGAGCCTTTGATCCAGGCTCTGCA
GACAGGCCAAAGGGGATCCAGCAGCATGGGCGCCACGGGGCACTCCCGTGGTTCTGGAC
TCTGGCCCCAGTGTACAAGGCTTCCGTTGGCAAGAGAGATGCTAGCTGGTTATACTTTA
ACCAGGACTCATCTCATCTGAGCCAGGCCCCATCCCACTGACAAAGGCGCAGTATAAAGC
AGACCCACAGACACAGCAGGTAAGCAACGTAGCAGCATGGAAGGTGCTTCTAAACGGGT
GCTCTACTGAGCAGGGCTGGGTCAAGCTACGGATCCGCCAGGGCTGGGTCAAGCTACGGA
>EP45001 (+) Rn hexokinase II; range -499 to 100.

TGCTTCAGGGATCTGCAGACTCGTTGAGCCACAATTAGGATGAGAATCAAGGTGCTTCAG
ACTTGTGACAGGGCACTGGCGGCCCCCTCACATGATCCTCAGATAACCAGATTGTGGCGTGT
GCTGCTAGGATCACTTGTCTTTCCAGTCTCCCAACATCTCTTGGGTCCGTGATCACGCGC
CCCCACCCGAAGCCAGCCTGACGCGCGGTGGTCTATGCGCCCTGGAGTCCCGGGCTC
TAGCCACGGAACACAGTCCCACTCTGGCGCCCGGCTCCGCCCCCTAGCCTCGGGCGCGT
CTCTCCCGCCGCTGCTTGGGTGCTGGAGCAGCCGCGCCGCGGGCTCTGGGCGCTGATT
GGCTGTGGACTGCGGGCGGGCAGCCGGAGAGCGCACACACCTCTTCCCGCAGCCAATGA
GCGCGCCACGTCACTGTCTTGGGCGGCCAAAGAGCCGCGCAGCCCTCAATAAGCCACA
TTGTTGCACCAACTCCAGTGTAGAGTCTCAGGACACCACAGGCTACACGGAGTTATCCC
GCTTAGGAGACCCGAAGGCAGGAGCATCACTCCAGTGACTCTGATAAGGTGCGATCGCCC
>EP32002 (+) Mm MDH mit; range -499 to 100.

GAGGTGAGGAGTCCGGGGCCGCTGACCTGCTGCGGCACTTCTGTGAGGCTCCCCGGCA
GGACGTCCGACCGGAGCCCCACCTGGGATAACGGGTACTTCTAACCTAGAGCCTGTCTC
CGGGCGAGCGCTCCAAGAGTCTTCTAGTACCGGGTTGCTAGGGGCGGTCCCAAGATTCC
GCCTAATCTTGGTGACCGTCTGTCTAGCGCTAGGTCCCGGAAGTGGGCAAGCTAACGG
TGGGGAGGGGCGGGCAAGGGGCGGGGTAGGAGGCGGGGAAGGAACGGCCTGATAAAGT

GAAGCCGGGCTCTCTCGCGAGATCTCGGAAGTGGCCGGAGCCAGAGATGACTTCTTTG
GAGCCGGAGAGAATCGTGACGTGAGGCCTCGCTCGCCGGGTCTAGGGCTGCTAGACAAG
GAACCACACGGCCGAGCCTGTCTCGCGAGATTTGGCTCAAGCTTCTTGCCTTCTCTCGC
GAGATCAGGTGGCTCTGGACCGGGCGGCCACTGCGCAGAGTGAGGTCGTTGGAGTCACT
CGTCTTCTTGTAGCTCCTGCCAGTAGCTCCGTGTCCGCCCGCCCTAGCCATGCTGTCCG
>EP30014 (+) Hs G6PD; range -499 to 100.

ATCAAGAAGAGACTGCCAATAGGGCCGGCTTGACCCGCGAACAGGCGAGGGTTCCCGGG
GGAGTGGCGCGCAGAAGGCCCGCCAGGAGCCGAGGGACAGCCAGAGGAGGCGTGGC
CACGCTGCCGGCGGAAGTGGAGCCCTCCGCGAGCGCGCAGGCGCCGGGGCAGGCGGGG
AAACCGGACAGTAGGGGGCGGGGCTGGCCGCGCATGGGGATTTCGGGAGCTACGCGGAG
CTGCAACCGTGCCCGCGGAATTGGGGATGCAGAGCAGCGGCAGCGGGTATGGCAGGCAG
CCGGCGGGCCGGCTCCAGCGCAGGTGCCCGAGAGGCAGGGGCTGGCCTGGGATGCGCGC
GCACCTGCCCTCGCCCCGCCCCGCCCCGACGAGGGGTGGTGGCCGAGGCCCCGCCCGCA
CGCTCGCCTGAGGCGGGTCCGCTCAGCCAGGCGCCCCGCCCGCCCCGCCGATTAA
TGGGCGGGCGGGGCTCAGCCCCGGAACGGTCTGACACTTCGGGGCTGCGAGCGCGGAG
GGCGACGACGACGAAGCGCAGGTAACCGGCCGGCGGGCGCCGCGCAGGCGGAGGAGCGT
>EP24042 (+) Mm[Gdc-1] GPD cp; range -499 to 100.

TAGTGCTTTTTCTCTCTCTCTGAAACAGACTAGCCTCGAACTCATCGAGACCCTCTT
GCCTCTGCTTCCCAAGCGCTGGGGTTAAAGACATGCACCACCATGCCGAGCCCTGTCACT
TGCAGTTTATTTCACTGCTGGAGACTGAAGGCATAGCTGGGGGGGGGGGTGTGATAGCT
GGGGGGGGGTGTGATAGCTGGGGGGGGGGGGGTGTTACTGTTTCTTGACCAGACTCAATA
CCAATACGTAGGTGGAGAATAAGCCGAGGCCAAACAGGGAAGAAGCTGGCCAGCACTG
TCAGCTGGGAACCGAGAGGAAAAGCTGGCCTGGCCTCAGCCTCAGTCTTCTTCCACC
TGTCTGTCCCTTTACTACCTTTTCTGCAGGCCAGACTCCTAGTCCCTGGGTGCCAGCCT
CTGGGCCACCTCAGGGGCGGAGCTTGGCTGCACCCACGTGTGGTGGAGTTAAATACTCGG
AGCCACACCCCGCGGGGAGAGAAGCAGCAAGCAGCACCATGGCTGGCAAGAAAGTCTG
CATTGTGGCTCTGGCAACTGGTGAGTGGTCTGTGAAGGGCAGGGGGGAGGGAAGGGC
>EP31010 (+) Hs hepatic lipase; range -499 to 100.

TTCTGCACCACACTTTGACCACAAGCATCACCAATTTCACTGAACCAACAGAAATTTGG
ACCCTCTGGGGGCTCTCTGCGTGGCAGGGCCCTTTTCTTTTCTTTGGGCTTAGGCTGCA
ATTTGAAACACCACTTTCTGAGCCAGCATCCCCCTTGACGCGCTGTCACAGGGAGGCTT
AGGCAGCCACGTGGAAGCCACCTACCCGACCTTTGGCAGAATTTCCAAACACAACACAG
TAGCTTTAAGTTGATTAATTTGGAACCTGACCTTGGCCCCAAAAGGTAAGAATACATAA
CAAGGTATTTTATTCTCAAAATGTGTGTCAGGATAAGAAGCACTTCTGTAATCGACCTTTT
TAAATAGATATAATTAGATTTGCAGTTGGGGGCAGTAAAGAAAGGCTGTAACAGTGGA
TAACATGTTGAGAGGTTAATTATTAATGGGCAGTCTTCCCTAACAAAGTATCTAATAGGC
ATTGTGGTCTCTTTGGCTTCAGAAATTACCAAGAAAGCCTGGACCCCGGGTGAAACGGAG
AAATGGACACAAGTCCCCTGTGTTTCTCCATTCTGTTGGTTTTATGCATCTTTATCCAAT
>EP16053 (+) Rn chymotrypsin B; range -499 to 100.

CAGGGTGATCCTTGATAGTCCGACTTTCCATGTAACCCTGTGTTTTAGATGAGTGAAA
CGCATTTGTGGTCATAGACCATCGGCTCACTTGGAGCCCTCCAGCCACCATCTTCTTG
AATTTATCCTGGGACTGCCTTCAGTTAAGAGCTGGGGGTCTTTCTGTGTCATCAGGATG
GGCACTGGGTCTCCTGGCCACCTCCCAGAAAGTCTGCATGAGCTGCTTCCACAGGTT
TCTTGTCACATTGTCCACACTGCCACTGTTTCATGGGCACTGTTAATCAGGGCACCTGTC
CTTTTCCCATGGCCTGGGCATTACAGGCCAAGAGCCAAGCAAGACTGTGATAAGGCGCTT
GGCCCCCACTTGATCCAAGGTCTCTGGATAACAGGGAGGAGAGCTCTCGGACCTTCTTG
GTTGGACAGGGTCATGGGGATTGGGCAGGGCTTGAGGACCCTAGGGGACATAAAAAGAGC
CTCAGGGTAGGCAAGCTTCACTCACTCCCTTGACCAGCACCATGGCATTCTTTGGCTCC
TGTCTGTCTTGGCCTTGTTGGGGGCACCTTTGGTAAGTGTGGGGCTCAGCTGACCAG
>EP29018 (+) Rn trypsin I; range -499 to 100.

CCTCAGAGCCCTTAATATCTTCTTCTTCTCAGCAAAATAGGTTACAGGTAAGGGGCT
TAGGCAAGGCTGATTTTCTACCAGGAGGGCAACAACAACCCCACTAGTTACTAGAACCAG
ACCTTCTCAACAACCTCTTAAATTGACATTCATGAAGTCAGGATTTCTAGGAATCTTTGT
TCTTCTCTTATCTCCTAAGACTAAGAAATCCCACTGTAGAAACAAGGGCTTGTCTTTCT
TCCCTCTTTGTCCATTCCACCATTTTCCAAGAATCAATTGCTCTTCTTATGTGGCCT
GAGAAAAAAGTTCCTTGTACCTGTAGGTCTCCAAGTGACAAGGGCACCAACAGAGCA
AAGCTGATGCAAGACTCTGGGAAAGAGAAACGTGTGGTTATGTTTGTGAGGGAAAAAA
TGACCCCTCCACCTCTACCAAGGATGCCCTCTGCTCCATCTAGGGAGCTATAAAGGAAGG
CTCTCTTTCTGTGCTCATTACCTTCTGCCACCATGAGTGCACTTCTGATCCTAGCCCTTG
TGGGAGCTGCTGGTGAGTTTTACTCTTTTCCCAAGCTCTGTCCATTCCACTGAATGAAT
>EP32006 (-) Rn trypsin II; range -499 to 100.

CACTGATTGCCAAAGCTCTTGATATGATCTTTCTATATGATGAATTATTCTAGTGTAT
GAATCATCAACTCCTAGTCATTAGATCCATATACAAGATTTTTATTTTCATGAATCTCCA
GGTCTCAAATATCCACTCATCCAAATATCATGTCTTCTCAAAGTAAATCACAGACGT
TTCCATGATGTTAGTGTTATCTTAGGAATATAGCCATTCTCCACCACCAACCTCTTCT

ACCAGCCTAAGAAGGAAGGCCAAGCTGCATACCCAAAGTCTATGTTTCCACTGGTTTGCA
AAGCCTCCTTTCAAGAATCACCTACTTTCTTGCTTATCACTGACCCACAGAGTAGAC
AAATAGAGCAGAGATAATGTAAGGCTCTCGGAAGGGGAAACCCACAGGTGTGCTTGTGTA
GAAGCAGTGGAGCCCTCCCCTTAGCACCTCCTTCTCCCTGCATTGGGGTATAAAAGCAAG
CTTCCATCCAGGGCTCACTACCTTCTGCCACAATGAGAGCACTCCTGTTCTGGCTCTTG
TGGGAGCTGCTGGTGAGTTCTATGCTTTACCTTGGTCTTGCTCTACCTTCTCTAGAAA
>EP16054 (-) Mm trypsin a; range -499 to 100.

CCTTTAATTTTCATCTTCTTGTTTCAGTAAAATAGTCAGGTTTCATAGATAAGGGGCTTAGGC
AATGCTGATTTCTACCATGAGGGCACCAAGCAACCCCACTAGTTACTAGAACCAGTCCT
TGCTCAAAGTTCCTTAAAACATTAATGAAGTCAGGATGTCTAAGGATCTTAGACAGTCTT
TGCTCTTCTCTTATCACCTAAGCCTAAGAAATCCCCTGTGGAGACAAGGGCTTGACTT
CCCCTGGTTTTTCCATTGCATGATCCTTCCAAGAAGCAATTGTCCTCCTTATGTGACCTG
AGAAAAAAGTTCCCTTGTACCTGTAGCTCGCCATGTGACAAGGGCACCAACAGAGCAA
AGCTGATGCAAGACTCTGGGAAAGAGAAACCTGCAGCTATGTTTGTGCAGGGAAAAA
AAATGACCCCTCCACTTTTAGCCAAGGTGCCTTCTCTTTGTTTAGGGAATAAAGAC
AGGCACTCTTCTGTGCTCATGACTTTCTGTCAACCATGAGTGCCTTCTGATCCTAGCCC
TTGTGGGAGCTGCTGGTGAGTTTCACTCTTTTCCAAGCTCTGTCTGTTCCTGAATG
>EP29005 (+) Rn elastase I; range -499 to 100.

AAAAAAAAGCAATCCTCACTCTTCATCCTGGATTTTTATTACCGTGTTCCTATCTATG
CACTCATGGTGC
ATGAGCACATGCTCGTTGTGGTCAGGGGACAACCTGCAGGAACCCATCCACTCTTTCTGC
CATGTGAGTTCCAGGGGATTGAATGTGGGTGGTCAGCCTGGCGGCAATGGCTTCAGCCA
TCTTGAAGACCCTCTTAGGATCCGCTGGATGCAACTCAGCTGGGGTCAGCTCAGTCGACT
TGGGTTAACTGAGTGCCGCTTGTCTGTCTTTGAATATCAGATAAATGAGTTGACTTA
AAATTTGTTCAATTTGTACTTTTCATGTACCTGCGCTTTTCCCTGCCTTCTACCCACAGCC
CTGCCCAGCTGGCAGGAGGAAGGTGAGCAGAGCTGCTGATAAGAGGCGTATAAAGAGGGT
TCCGCTCATGGCAAGGGGAGTGGTCTACTCTCTCCACAACATGCTGCGCTTCTGGTGT
TCGCTTCCCTGGTCTGTATGGTAAGTAGACATCTGGCCCAAGTTCTAAAGGAGGGGGAC
>EP16055 (-) Mm elastase II; range -499 to 100.

CCAGGTTGTCCTCGTACTGGATGCTTCCTAAGCGGGTCTAATGTTTTCTTTGGAAAAAGC
AACCCAGGAACAAACATTGTCTTTCTTCTCACGTAACACTCAGCTTGAAAGCAGAGAG
AATGTACATTTCTCGGATGGTGGTTGTGCTATTGTCTTTTGGGGAGGAGTTGGTGAA
ACAATATGTGTGGCCAGGCTGACCCCGAGCACTCTACATAGCCATGGATAATCTTAAGT
CCTGATCACCTGCCTCTACCTCCCCAGAGCTGGGGTTCCAGGTGTTTGGCTGGCAAGGA
CCTGTCTTTGGCATGTTTCTCAGTGACTTCTAGAACGACAAGGGAATGGAAAAATAAAC
AAAAACAAGAAAAACCAACATTTGGACTCCAGCCCTTTATTGCACTGGACTTTGGGAAAA
TCTCCACCTTGCAATTTCTCCAGCGTCTCTGGCTGATAAGGCCACTCATAAAAAGGAAG
CTTGGCCAGGGCCAGACCTACAGACGTCCAGGGACACACCATGATCAGGACACTGCTGCT
ATCTGCTTGGTGGCTGGAGGTAACCTGTCTGGTGAAGCTGGGAACCTGAATCTCCTGCT
>EP29006 (+) Rn elastase II; range -499 to 100.

ATGACCTTGTGACCATAAAGAAAGGTTTACCTGTTCCAGGGCATTAGGGGTTGAGCTA
GAACAAGCTCACCTCCCCTAACGTGCAGAAGTCTCTTGAAGCAAATAGAATCTATGTG
TCTTTGGTGGTGGTAGTTGTTGTTGTTGTTTGGGGGGAGGGGGTTGGGTGAAACAATCT
CATGTAGCCCAGGCTGGCCCGGAGCACTCTATGTAGCGATGGACGATCTTAACCTCTGAT
CACCTGCCTCTGCCTCCCCAGAGCTGGGGTACCGGGTGTGTGCAGCCATACCCAACAAA
GCCAATTGGTACCTATCTTTGACAAGTTTCTCAATGTACTTCCAGGATGGCAAGGAAAT
GGAAAAAATTAATAAAAAAACATTTGGACTCCAGCCCTTTATTCCACTGGGCTTTGGGAAA
AGCTCCACCTTGGTACTCTCCCGCTTCTCTGACAGATAAGGCCATGGATATAAACAAA
GCTTAGTCAGGGCCAGACATACAGACATCCACGGACACACCATGATCAGGACACTGCTGC
TATCTGCCTTGGTGGCTGGAGGTAACCTCTGTCTGCTGAAGCTGGGAACCGGACCCTCT
>EP17064 (+) Mm adipsin; range -499 to 100.

TGAAACCTCATGGCAACACTCTGCTTGCTGAGGTGTGAGACCCACAGACACAGGAATGA
GGACAAAGGAGTTAAGTGCCCTTCCCCCACTGTCAAGCAACCTTCTCTCAAATTGAAGG
CAGAAAGAGGAGGGAGAGATGATGGGGTGGAGGGTGTACTAACCAGCTCCTGCTGCTC
TGGTTTTAACAGACACCATGACAGACACATGGCTGGAAGGATACTCACTGGGCCAGGACA
ACAGGTGGTCCATCCTCTGCTCTCGTTGTGCTTGTGTATGCCTACCTTGAGAGTGGGCA
CTGGTCAGGGTGCCATGCAGGAGGGAGAGGAGGGTTGCCCTGCCCTGCACCTCACAG
GTTACATCATCTGTCCCAGAAAGGGCTGACACACCGAAAGTGACAGACTCCCTTCCCTAG
TTGGTTTTCTGCCCACAGGCAAGGGGAGGAGGTAAGAGGCAGGAGTCCATAAAACAGC
CCTGAGAGCCTGCTGGGTGAGTGCCTGCTGTGAGATGCACAGCTCCGTGTACTTCTGG
CTCTGGTGATCCTGGGAGCGGCTGTATGTGGTGAGTGGACCAGGGAGGGACAGTTTGAC
>EP07096 (+) Mm mGK-1; range -499 to 100.

CAAGTCCAAAAAGGAAGCATTTTGGCATTCTCCAAGAAAGGATTTGTATCTGCAGGGAGC
TTGCAGCCCTTAGGCTATCACTTGTGAAAGACTCTGTTCTAACTGCAACTTTCTGGGAT
AATCTTGACTTGAGGTACAGGACCTTCTTAAAGTTGTGGGTAGGCAGCACTTGCTCC

ACTACCCACCATTCATACCAAGTCACCATTTCCACGACCTTGCCATCTGGCTCCCAGTAC
CCGGAACACTAACAGTTCCAGAAACAGCAGGAATTGCCCTCCCAATCTCATTCTTGGGAA
TGTATCCAGGGTGACCTAGAGCCTTCTGGACAGTGGGTGCAACGAGGTCATCCCTTACCA
CAGCCAGGATGGTGCAAGTAGAGAATCCTAACCTGTGACGAAGGGCAGGGCTTTGTGAG
CATCTGGGTGGCAACAGGACAGAGGAGGGGCTGTGGGGAGAATGGGGGATTTAAAGTCTC
CCCAGGGAGCCTCAATAGCTCCAAGCTCACTGCCTGCTGCTCCTGAACACCTGTTACCAT
GTGGTTCTGATCCTGTTCTAGCCCTGTCCCTAGGAGGGATTGGTGAGATGAGGGAATG
>EP14051 (-) Mm mGK-3/g'-NGF; range -499 to 100.

TCCAGGGTTCGAAGTCCAGAAAAGCAAGCATTTTACATTCCAAAAAATGGTTTGTATC
TACAGGGAAGTGAACCCATTTTGGCTATCACTGGTGAAAAGATTTTGTCTAACTGCAA
CTTTCTGAGAATAATCTAGGTATTGAGGTACAGGAACCTTCTTAGAGCTGTGGGTGGGC
ATCACTTGCTCCTCTGCCTTTCAACCCAACTCAACATTGCCCTGACCTTGTACCTGGC
TAAGTTCCCCAGAACTCGAACAGCTCCAGAAACAGCAGGACCTACCCACCCAATCGCAT
CCCTGGGAAGATATCCAGGATGACCTAAGGCTACAGGACAGCAGGTGCAACGAGGCCCT
CCCCTCCCACAGCCAGGAGGGTGCAAGAAGGAAGTAACTCTGTGAGCAAGAACATAGC
TTTGGTCAGCATCTGGGTGGCAACAGGACAGGGGAGGAGTATAAGGGTTTTTAAAGTCTC
CCTGAGGTGCCTCAACAGCTCAAGCTCACTGCCTGCAGCTCCTGGACACCTGTACCAT
GTGGTTCTGATCCTGTTCTAGCCCTGTCCCTAGGAGGGATTGGTGAGATGAGGGAATG
>EP14052 (-) Mm mGK-4/a'-NGF; range -499 to 100.

CCAAGTCCAAAAAGGAAGCATTTTGGCATTCTCAGAAAAAGAATTTTATCTGCAGGGAG
CTTGACAGCTCTCCTGGCTATCACTGGTGCAAGAATTTGTGACAGTACTGATTTGTAGG
GTAACCTTTTATTGAGGTGCAGGACCTTATTTAGAGCTGTGAGTTGGGGGTCACTCGCTC
CTCCATCCTCCTTTACACTTCTGACCATCACCCCTGACCTTGCCATCTGGCTACAGTC
CCCGGAACCTCAAACAGCTCCAGAAACAGCAGGTCTGCCCAACCAATCTCATCCCTGGG
AAGGTGTCCAGGGTGACCTAGGGCCTACTGTAGAGCAGGTGCAACGAGGCTCTCCCATCC
CACAGCCAGGAGGGTGCAAGCAGGAAGTAACTCTGTGACGACGAACAGAGCTTTGGTC
AGCATCTGAGTGAAAGGACAGGGGAGGGGCTGTGGGGAGAATGAGGGTTTTAAAGTCTC
CCTGAGGAGCCTCCACAGCTCCAAGCTCACTGCCTGCAGCTCCTGGACACCTGTTACCAT
GTGGTTCTGATCCTGTTCTAGCCCTGTCCCTAGGAGGGATTGGTGAGATGAGGGAAG
>EP25022 (-) Mm mGK-5; range -499 to 100.

CAAAAAGGAAGCATTTTGGCATTATTTAAAAAAGGATTTGTATCTGCAGGGAGCTTGC
AGCCCTCTTGGCTATCACTAGTGCAAGAATTTGTTCTCAGTGCAACTTTCTGGGGATAA
TCTTGACTTGAGGTACAGGAACCTTTCTAGAAGTGGGGGTTGGGAGTCACTTGCTCCTC
CATCCTCCTTTAACACCAACTCAACATTGCCCTGACCTTGCCCTCTGGCTAAGGTCCCC
GGAACCTCAAACAGCTCCAGAAACAGCAGGACCTGCCCACTAATCTCATCCCTGGGAAG
GTGTCCAGGGTGACCTAGGGACTACTGCACAGCAGGTGCAACAGGGCCTCCTCTCCACA
GCCAGGAGGGTGCAAGAAGGAAGTATAACTCTGTGCAAAAGGACAGAGCTTTGGTCAGCA
TCTGAGCGGCAACAGGACAGGGGAGGGGCTGTGGGAGAGAATGAGGGTTTTTAAAGTCTC
CCTGAGGAGCCTCAACAGCTCCAAGCTCACAGCCTGCAGCTCCTGGACAGCTGTACCAT
GTGGTTCTGATCCTGTTCTAGCCCTGTCCCTAGGAGGGATTGGTGAGATGAGGGAAG
>EP25023 (-) Mm mGK-6 (renal); range -499 to 100.

TCCAAAAAGGTAAATAATTTTGGCATTCTCAAAAAAAGTATTTATATCTGCAGAGAGCC
TGACAGCCCTTGTGGCTATCAACGGCAAAGAATTTCTACTAACTGCTGGTTTCTAGGGTAA
CCTTGACTAGAGGTATATGACCTTGTTTAGAGCAGTGGATTGGGGTCACTGGCTCCTC
CACCTTCTTTACACCCCTTACCATTGCCCTGACCTTGCCATCTGCCTTAGGTACCC
ATAACACTAACAGCTCCAGGAGCAACAGGACCTGCCCAACCAATCTCAGACCTGGGAAG
GTATCCAAGGTGACCTAGGGCCACAGGAGAGCAGGTGCAACAGGGCCCTCCCCTCCAC
AGCCATGAGGGTGGGAGAAGGGAGTAACTCTGTGAGGAAGGGCAGGGCTTTGGCCAAC
ATCTGGCTGCCAACACGGCAGGGGTGGGCTGTGGGGAGAATGAGGGTTTTTAAAGGCT
CCCCAGGAGCCTCTACAGCTCAAGATCACTGCCTGCAGCTCCTGGACTCCTGTTACCAT
GAGGTTCTGATCCTGTTCTAGCCCTGTCCCTAGGAGGGATTGGTGAGATAAGGGAAGG
>EP14053 (+) Ss urokinase (uPA); range -499 to 100.

GTGTCAGGAGTATTTTACATTGAGAAAGAGACTTCACAGCGCTGAGAACTATGCCCGTA
TACCCAGGGGTCCGAATCACTCTCGTAGGCAGCTGGGGCTAAGGGTAGAAAGGGTGAGAA
AGAGCTGATTGAGGGGATCTGGGAGGCAGCATCATAGCTGGGGCAGGGGTAGGGCATCT
CCCAAATCGATCTTCTTTTGAATTCGGGGTTTGGTGGGGAGGTGCTGCTCAGGGGCGG
GACCCAGGGCAGGTGAATGCGAGGAGGGGCGGGGATTTTAGGTGCCTCTCTTCCCTCA
GTTGAGACCAATTTATCCCTCCCCTGGGAACCGCTCTGCCCCCTCACAGTTAAGGTTGAG
GAAGCCCGTGGGGGGCGGTCCGAGTCAGAGCTGGCCTGCAGGGAAGAGGAGGGAAGGGA
GTGGATGGGAAGATCCAGGCTAGGGCGGGGCCAGGGCTGGGGCGAGTCCTAATATAGAG
CCTGCACTGCGGGCTTAGGAGCANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP14054 (-) Hs urokinase (uPA); range -499 to 100.

CCCTACAGGCAGGGTTTTTCTGTCTGTGCTTCTTGGGAGAGTATGTCTCGTACATTTGT
CGCGTGATGAAGACTTCACAGCTCCATCAGCTGCGGGCAAGGGGGTCTGAGGCAGTCTTA

GGCAAGTTGGGGCCAGCGGGAGAAGTTGCAGAAGAAGTATTAGAGGACCCAGGAGGC
TTCAGAGCTGGGCGAGGTAGAGAGTCTCCTGTGCGCCTTCTCCTCTCTGCAATTCGGG
GACTCCTTGACTGGGGCAGGCCCCCGGCAGGTGCATGGGAGGAAGCACGGAGAATTTAC
AAGCCTCTCGATTCTCAGTCCAGACGCTGTTGGGTCCCTCCGCTGGAGATCGCGCTTC
CCCCAAATCTTTGTGAGCGTTGCGGAAGCACGCGGGTCCGGGTGCTGAGCGCTGCAAG
ACAGGGGAGGGAGCCGGGCGGGAGAGGGAGGGGCGGCGCCGGGGCGGGCCCTGATATAGA
GCAGGCGCCGCGGTGCGAGCACAGTCCGAGACCGCAGCCCGAGCCNNNNNNNNNNNN
NN
>EP32001 (+) Hs protein C; range -499 to 100.

TGAGGGTGGAGCCAGTGCCAGCACCTATGACTGGGGACCCAAAAAGGAGCATCTTCT
CATGATTTTATGTATCAGAAATTGGGATGGCATGTATTGGGACAGCGTCTTTTTTCTTG
TATGGTGGCACATAAATACATGTGTCTTATAATTAATGGTATTTTAGATTGACGAAATA
TGGAATATTACCTGTTGTGCTGATCTTGGGCAAACTATAATATCTCTGGGCAAAATGTC
CCCATCTGAAAAACAGGGACAACGTTCTCCCTCAGCCAGCCACTATGGGGCTAAAAATGA
GACCACATCTGTCAAGGGTTTTGCCCTCACCTCCCTCCCTGCTGGACGGCATCTTGGTG
GGCAGAGGTGGGCTTCGGGCAGAACAAGCCGTGCTGAGCTAGGACCAGGAGTGTAGTGC
CACTGTTTGTCTATGGAGGGGAGGCCTCAGTGTGAGGGCCAAGCAAAATATTTGTGGTT
ATGGATTAACCTCGAACTCCAGGCTGTATGGCGGCAGGACGGCGAACTTGCAGTATCTCC
ACGACCCGCCCTGTGAGTCCCCCTCCAGGCAGGTCTATGAGGGGTGTGGAGGGAGGGCT
>EP07095 (+) Hs factor IX; range -499 to 100.

AAAGACCTAATTAAGAGGACAAAAGACAAGCTACAGGCTGGAGACAATATATTTAATCCA
CGTATCTATGAAAGGACTCATATCTAGAATATATAAACAACCTTAAGAATCTGACAGTAA
AAAAAAAAAATCAGACTAACTGGACCACTCATACATTGCTGATGGAATGTAAAGTGGTA
CAGCCATTTTGGTAAACATCATTGCTCTCTGACAAAGATACGGTGGGTCCCACTGATGAA
CTGTGCTGCCACAGTAAATGTAGCCACTATGCCTATCTCCATTCTGAAGATGTGCACTT
CCTGTTTCAGACTCAAATCAGCCACAGTGGCAGAAGCCACGAAATCAGAGGTGAAATTT
AATAATGACCACTGCCCATTCTTTCACTTGTCCCAAGAGGCCATTGGAAATAGTCCAAA
GACCCATTGAGGGAGATGGACATTATTTCCAGAAGTAAATACAGCTCAGCTTGACTTT
GGTACAATAATCGACCTTACCCTTTACAATCTGCTAGCAAAGGTTATGCAGCGCGTG
AACATGATCATGGCAGAATCACCAGGCCTCATCACCATCTGCCTTTTAGGATATCTACTC
>EP15054 (+) Hs complement f. B; range -499 to 100.

GTTGACTTGACTCATGCTTGTGTTTCACTTTCACATGGAATTTCCAGTTATGAAATTAATA
AAAATCAATGGTTTTCCACATCTCTCAGTGCCTCTATCTGGAGGCCAGGTAGGGCTGGCCT
TGGGGGAGGGGGAGGCCAGAATGACTCCAAGAGCTACAGGAAGGCAGGTACAGAGCCCCA
CTGGACAAACAGTGGCTGGACTCTGCACCATAACACACAATCAACAGGGGAGTGAGCTGG
ATCCTTATTTCTGGTCCCTAAGTGGGTGGTTTGGGCTTACTGGGGAGGAGCTAAGGCCGG
AGAGGAGGTACTGAAGGGGAGAGTCTTGGACCTTTGGCAGCAAAGGTTGGGACTTCTGCA
GTTTCTGTTTCTTGACTGGCAGCTCAGCGGGGCCCTCCCGCTGGATGTTCCGGGAAAG
TGATGTGGGTAGGACAGGCGGGGCGAGCCGAGGTGCCAGAACACAGATTGTATAAAAGG
CTGGGGGCTGGTGGGGAGCAGGGGAAGGAATGTGACCAGGTCTAGGTCTGGAGTTTCAG
CTTGGACACTGAGCCAAGCAGACAAGCAAAGCAAGCCAGGACACACCATCTGCCCCAGG
>EP15035 (-) Mm renin-1; range -499 to 100.

AGAGAGACTGGGCGGGCAGACAGCAGGGGAAGGCACTGGGTGGTCTGGCAGCTGGAAATG
CTGGGAGGCCTTCTTGGGGGAGATTAGATAAAGCTCTTCAGGGGAAGGCCTATTCCATGA
CTCCAGCATGGTGAGTCTAGATGAAAGGAGGTAGTCTATGGTTTTAGAGCTTTATTGTAG
AAGAGAGAGAGAGAAGGTAGAGAAGTAGAAGCCAGTCATTGCCATGAAGAAGGAAGGGGG
AGAAGGAGAGCGAAAGGTAAGAGTAAGAAAACAAGAGCTTTAGGAGAGAGACAAGAGAGA
GAGGAGGAGGCAAGCAGCCAGGTAACCTTGGGGGTGGAGTCTGGACAGCCTACATGACTG
ATGGCCACAGAATTATGGAGCTGGGTCCCTTGGCCAGAAAACAGGCTGCCTTTTCATGGTCC
CACAGGCCCTGGGGTAATAAATCAAAGCAGAGCCTGTGATACATGGTGTGTATAAAAGAA
GGCTCAGGGGGTCTGGGCTACACAGCTCTTAGAAAGCCTTGGCTGAACCAGATGGACAGA
AGGAGGATGCCTCTCTGGGCACTCTTGTGCTCTGGAGTCTTGCACCTTCAGTCTCCCA
>EP15036 (-) Mm renin-2; range -499 to 100.

AGAGAGACTGGGCGGGCAGACAGCAGGGGAAGGCACTGGGTGGTCTGGCAGCTGGAAATG
CTGGGAGGCCTTCTTGGGGGAGATTAGATAAAGCTCTTCAGGGGAAGGCCTATTCCATGA
CTCCAGCATGGTGAGTCTAGATGAAAGGAGGTAGTCTATGGTTTTAGAGCTTTATTGTAG
AAGAGAGAGAGAGAAGGTAGAGAAGTAGAAGCCAGTCATTGCCATGAAGAAGGAAGGGGG
AGAAGGAGAGCGAAAGGTAAGAGTAAGAAAACAAGAGCTTTAGGAGAGAGACAAGAGAGA
GAGGAGGAGGCAAGCAGCCAGGTAACCTCTGGGGGTGGAGTCTGGACAGCCTACATGACTG
ATGGCCACAGAATTATGGAGCTGGGTCCCTTGGCCAGAAAACAGGCTGCCTTTTCATGGTCC
CACAGGCCCTGGGGTAATAAATCAAAGCAGAGCCTGTGATACATGGTGTGTATAAAAGAA
GGCTCAGGGGGTCTGGGCTACACAGCTCTTAGAAAGCCTTGGCTGAACCAGATGGACAGA
AGGAGGATGCCTCTCTGGGCACTCTTGTGCTCTGGAGTCTTGCACCTTCAGTCTCCCA
>EP29023 (+) Rn renin; range -499 to 100.

GCCCACCCCACTCCCTGATGCCAGAGGTTAGATAGGATCTTACTTTTTCCACTAGGCAGC

CTCAGAGAACCCCCAGGAGCCATTTTACAGGAGTGTCTGAGGGACTGACTTTTCTGTACG
GACAGGTGCTAAACAGCCAAAAGCACACAAGTTCTTAAGTTTACCGTCTACCTGGGTG
CCAGGTGTGTGCAGACCACAGGAGCACTTGACAACCAGCAGAATCAAGCAAGGAAATCCA
TTTTTTTTAAAGGCCATGGAGTACTCTGTGCCAGTATATGTAAGGGGAGCATTTCTCAA
TAGGATGGAATGAAATGGAGAAAACAACCTGTTTACATGGTGGAGCGTGTCTCCTACACC
ACGTCCTGTTTGATATTAATCATGAAATTGCAACACCAAGCTAACCCAAAAAATCTGCCG
GACTCACCATGTCTGATGATTGCTCAGGCTATTCATTGTTAATCAAGAGGATGTTATAAA
GCATGATGTACACAGCCCTCAGCTTTGTAAGGCGCAAGGACTGGCATATAAAGGAGGAG
GTTCTAGAGGATGCAGTGAAGGCTGCAAGCAGGTAGGGAGCCCTGGTTGCCCTGCACTG
AGAAGGAAGACAAACACAGCATGCCCGGCTTGCTTGCCTGCTGCTACTGCTCTGGGGA
>EP15034 (+)Hs collagenase; range -499 to 100.

AGAAGGGAACCTCAGAGAACCCGAAGAGCCACCGTAAAGTGAGTGCTGGGGGAGCTGAA
CTTCAGTCAGTACAGGTGCCGAACAGCCATCAGGTGCGCAGTGTTAGTAATTCCACCCTC
TGCCCTGGGAGCAAGGTGTGTGGAGAAACCTGTAGCACTTTATGACCATCAGAACCAGTC
TTTTTCAAAAAGACCATGGAGTACTCTTTGACCTGTGTATATAACAAGAACCTTTCTCAA
ATAGGAAAGAAATGAATTGGAGAAAACCACTGTTTACATGGCAGAGTGTGTCTCCTTCGC
ACACATCTTGTTTGAAGTTAATCATGACATTGCAACACCAAGTGATTCCAAATAATCTGC
TAGGAGTCACCATTTCTAATGATTGCCTAGTCTATTCATAGCTAATCAAGAGGATGTTAT
AAAGCATGAGTCAGACAGCCTCTGGCTTTCTGGAAGGGCAAGGACTCTATATATACAGAG
GGAGCTTCCTAGCTGGGATATTGGAGCAGCAAGAGGCTGGGAAGCCATCACTTACCTTGC
ACTGAGAAAGAAGACAAAGGCCAGTATGCACAGCTTTCTCTCCACTGCTGCTGCTGCTGT
>EP47014 (+) Hs collagenaseIV 92K; range -499 to 100.

AGAGCCTGGAGTGTGGGGAGGGGTTGGGGAGGATATCTGACCTGGGAGGGGGTGTGCA
AAAGGCCAAGGATGGGCCAGGGGATCATTAGTTTCAGAAAGAAGTCTCAGGGAGTCTTC
CATCACTTTCCCTTGGCTGACCACTGGAGGCTTTCAGACCAAGGGATGGGGGATCCCTCC
AGCTTCATCCCCCTCCCTCCCTTTCATACAGTTCCACAAAGCTCTGCAGTTTGCAAAACC
CTACCCCTCCCTGAGGGCTGCGGTTTCTGCGGGTCTGGGGTCTTGCTGACTTGGCA
GTGGAGACTGCGGGCAGTGGAGAGAGGAGGTGGTGTAAAGCCCTTCTCATGTGGTG
CTGCCACCTGACCCC
TGAGTCAGCACTTGCTGTCAAGGAGGGGTGGGGTACAGGAGCGCCTCCTTAAAGCCCC
CACAACAGCAGCTGCAGTCAGACACCTCTGCCCTCACCATGAGCCTCTGGCAGCCCCTGG
TCCTGGTGCTCTGGTGCTGGGCTGCTGCTTTGCTGCCCCCAGACAGCGCCAGTCCACCC
>EP48003 (+) Hs collagenaseIV 72K; range -499 to 100.

TCTCTCTTCCATCTCTGTTTCATCCAGAATCTCTCTGTCCCTATCCCTAAATATCGAAA
ATTTCTGTCTCTGACCATCTATCATTGTGGCTGATCATCTGTTTCTGACCATTCTTCCC
GTTCTGACCCAGGGAGTGCAAGGTGTCTAGCCAAGCCGGCGTCCCTCCTAGTAGTAC
CGCTGCTCTTAACCTCAGGACGTCAAGGGCTAGAGCGACAGATGTTTCCCAGCAGGGG
GTTCTGAGGCTGTGCGCCAGATCGCGAGAGAGGCAAGTGGGGTGACGAGGTCTGCACT
GAGGGTGGACGTAGAGGCCAGGAGTAGCAGGCGGCGGGGAAAAGAGGTGGAGAAAGGAA
AAAAGAGGAGAAAAGTGGAGGAGGGCGAGTAGGGGGTGGGGCAGAGAGGGGCGGGCCCG
AGTGCGCCCCCGCCCCAGCCCCGCTCTGCCAGTCCCTCCCAGCCCAGCCGGCTACAT
CTGGCGGCTGCCCTCCCTTGTTCGCTGCATCCAGACTTCTCAGGCGGTGGCTGGAGG
CTGCGCATCTGGGGCTTTAAACATACAAAGGATTGCCAGGACCTGCGGCGGCGGGCGCG
>EP15037 (+) Rn transin; range -499 to 100.

CAATTATAGACCTTTATAGAAAAAATATTATAGACCATCTCCTTTTAAATATATGGG
GTACAGAATGTGGGTCTGAGTGACAGACAGCGTGGGCTGTGGCTACAGAGGCACACCTTG
TCCTTACCTCATCTCACTGTATTGAGCTTTGACTTCTGGAAGTTCTTTGTACAATTTGGA
CTTTTTACCAAGTTAGGCCACTACTATCCAAGTCATAAACATTACAGTCTCTGAAGGATA
GTTACATTTTCCAAAGTAGAAAAAATGCCCCAGTTTTCTCTTTTGCTAAGGCAGGAAGC
ATTTCTGGAGATTAATCACCATTGCTTTGCAAAATTAAGAAGGTTTGAAGAACTGAGT
AAAGAAGATTATATCACTCTTCTGATTTTTAATTTTTGGAATGGTCCCATTGGATGGA
AGCAATTATGAGTCAGTTTGGGGTGACTCTGCAAACTGCCACTCTATAAAAGTTGGG
CTCAGAAAGGTGGACCTCGANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP30052 (-) Oc stromelysin; range -499 to 100.

CTTCCAAATTTCTTTAGATACCATTTCTGTATTTAGAGTATAATAATGCAGGCTCTA
GCTATTCACGTGCAGTTTTTCATTTGCTTAGATTTTGGTGCATTTAATTCTTAAACATGT
TCTTCTAAAATAAAGCCACTCTTAAAGTTCTGCACAATTCTGACTTTTTACCAGGTCA
ACCTTCTTCTCCCAAACACATGAACATAAGTTTTCTAGTAAATTCTAGTCAAATTTTCC
AGAGGTAAAAAAGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGG
TGAGAGATTAATCACTGTGTTGCCTTACAAAATTGGGAAGTTGAGAGAAATTAATAAAGT
AGATTGTATCATCTACTTTGAGTTTAAAAATCTTTGGAATGGTCTGCTGCTGCTATGG
ATGAAGGCAATGAGTCAAGCTGCAGATGTACTAAACAAACATTCTACCTATAAAATTG
AGCTCTGGAGAGTAGATGTAGACGGANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP30051 (-) Hs stromelysin; range -499 to 100.

ATCACCCCTTCTAAATTTCTTCTAGATATTATCTTTATGTTTTGAGTATAATTGTATAT
AGTATAGACTATAGCTATGTATGTACACTTCCACTTACATCTTTATTTGCTTTTATAA
TGTGTTTCTTAAATAAAACTGCTTTTAGAAGTTCTGCACAATTCTGATTTTACCAAGT
CAACCTACTTCTTCTCTCAAAAGGACAAACATAAATTGTCTAGTGAATTCCAGTCAATTT
TTCCAGAAGAAAAAATGCTCCAGTTTCTCTCTACCAAGACAGGAAGCACTTCTGG
AGATTAATCACTGTGTTGCCTTGCAAAATTGGGAAGTTGAGAGAAATTAGTAAAGTAGG
TTGTATCATCTACTTTGAATTTGGAATGTTTGGAAATGGTCTGCTGCCATTTGGATGA
AAGCAAGGATGAGTCAAGCTGCGGGTGATCCAAACAAACACTGTCACTCTTTAAAGCTG
CGCTCCCAGGTTGGACCTACAAGGAGGCAAGCAAGACAGCAAGGCATAGAGACAACATA
GAGCTAAGTAAAGCCAGTGGAAATGAAGAGTCTTCAATCTACTGTTGCTGTGCGTGCG

>EP48001 (+) Hs matrilysin; range -499 to 100.

TTTTGGTGACGTTCTATTTCTTGACTTTTGGTGACGGTTACAGTATTTGCTTAATTATTAT
TTCATTATTTACATGTTTTGTGCACTTTTCCAAACCTTTTAATTGTTAAGAATATATGGT
ACCATGTATTTAAGAATACATGGTACCATATAATAAGAATATATATTTAAGAATATATAT
TATTTCTTTAAGAATATATGGTACCATAATGTCCTGAATGATACCTATGAGAGCAGTCATT
TGACTTTGGCAAAAAAATGAGGTTTCTCATGGAGTCAATTTATGCAGCAGACAGAAAAAA
AAATCCTTTGAAAGACAAATACATTGTGTGCTTCTGCCAATAACGATGTAATACTTCCT
CGTTTTAGTTAATGAAAAATAACACATACTTTCAAAGTTCTGTAGACTCTAAAAAGAAAG
AAAACACTCAAATGAGTCACCTATTTCCACATTGAGGGCTGAGAAGCTATATAAATTTCT
GCAGTCACTAGCAGAAAACANNN
NN

>EP29011 (+) Mm Amy-1^a S E1P1; range -499 to 100.

GCCATGGTGCCACCATCTGGTATTACTACTTATATGTGTCTGATACTACTGATATCATTT
TGAATAATCACAAAGTAGAATTTTTAATTAACACAAATAAATAGTTTGTCTCTTGATGTAA
TTGGCTTATTACTCATTTAAACATGATATGGGGTTGGTCTACTTTAGCCATTGTGCTCAA
AATGGAGTAACCTATTAATAAACTCCTTTTCCCCCAAGAAAACTCAGAGTAGTGCATAACT
CAAAAGCTGCTCTTCTGTTGACGATTGAACAGCTCAGATCACGGCACAGCCTGTTCTCTC
CCATCTACCTTGTGACTCTGAGAGCAGAACTGCAATGCCCTTTTGACCAGAGGAAATACA
CATTGTTCTTCCACATCGTGCATTACAGAGATTACCACTGAAATATCCATGCAAGTTTG
TTCCAAATCTAATGGCCAAAAATAAGAACAATGTTTTCTTAGATGCTAATAAATGTCC
TGCTCAGGTTAGAGCAGCCATTCTCAACGTAAATCAGAAGATTCCAACGTCAGTGGAAGG
CAGCACATGGTATGTAATCCTTAAAGGATATGCTAGTTTGAATTTGATGTCATGCTCTC
>EP29012 (-) Mm Amy-1^a L_m E2P2; range -499 to 100.

TCGCTACTGAAGGGAACTGGGTCAAGACTAAAATAAAGACAGAAATGGAGTACTTATTA
GAATTCATGAAATGCGTACACAGCATACCCAACTTATGGAACACAGTGAAAGTGGTG
GTAAGAGGAAAGCTTATACCACTAAGTGCCACGTAAGATCTCATACTAGCAACTTAAGA
GCACACTTGAAAGTTATATAATGAAAACAAGTAATTACACTCAACAGGAGTAGAAGATGA
TAAACGCAGACCTAATAATAGACCTTTGATTAAGTGAATTTGTTCCCATTTATGTTCTCAT
TTTTTTATTGATTGAATTTGGCTCGATAAAATAATGTGATCTTTAACTTATTTTACAAG
CCTTTAACCCTTATATTGTATATAAGTGATTTAGAGAAAAAGTTGAAAGTAGAAGAGGTT
GTTGTGATTGAGAAAGCAAAGTGATGAATTATGTTGCAATAGAGGAGGTTATAAAGCAG
CAGCCAAGGGAAGGCAGTGGTTTCCAAAGGACACCAGGGTGGTGGTGGCCAGTCCATCAT
AGGTCACGTGGAGCTCAGATCACAGTCTGACAGAATCCATATTTGGAGAATTACATAA
>EP29013 (+) Mm Amy-1^a L_M E2P3+; range -499 to 100.

AATAAAGACAGAAATGGAGTACTTATTAGAATTCAATGAAAATGCGTACACAGCATACCC
AACTTATGGAACACAGTGAAAGTGGTGGTAAGAGGAAAGCTTATACCACTAAGTGCCTA
CGTAAGATCTCATACTAGCAACTTAAGAGCACACTTGAAAGTTATATAATGAAAACAAGT
AATTACACTCAACAGGAGTAGAAGATGATAAACGCAGACCTAATAATAGACCTTTGATTA
AGTGAATTTGTTCCCATTTATGTTCTCATTTTTTTTATTGATTGAATTTGGCTCGATAAAAT
AATGTGATCTTTAACTTATTTTACAAGCCTTTAACCCTTATATTGTATATAAGTGATTT
AGAGAAAAAGTTGAAAGTAGAAGAGGTTGTTGTGATTGAGAAAGCAAAGTGATGAATTA
TGTTGCAATAGAGGAGGTTATTAAGCAGCAGCCAAGGGAAGGCAGTGGTTTCCAAAGGAC
ACCAGGGTGGTGGTGCCAGTCCATCATAGGTCACTGTGGAGCTCAGATCACAGTGCTGA
CAGAATCCATATTTGGAGAATTACATAAGGTTTGAAAGAGAGGATAGTGAAAGGATACGA
>EP30065 (+) Hs AMY1; range -499 to 100.

ACAAGCCAGGGATATGCGACAAGGACTACATGCACCCGTGGTCAGGGAGAAACAGAATAT
GGAAGGGAGTTTCACAATGTTCTTCTATACAATGTCTGGAATCTATGAATAACATCGGCT
TCTAAATCATAAGTTGATTGTAACCTACTGGGTTTAGGCCAACAGGCCAGGCCTGGTT
TTGTGCCTTTGATTTTGCTTCTCTTCTGTTGTTTACTGAATAGAAAACAATATAAAACAAG
AGGACAGGGTCTTCTCTCTCTCAATATCAGCACTGGATTGTAGAATTTGTTGCTGATT
TTGGCCTGGCATTCAAGTTAACTCTTCCCCTTGGTATCTGTACATACCTTTGATGTCAGT
GTTTAGTACACGTGGCTTGGTCACTTCATGGCTAAAAACGTGCTTGTGGAAGACAAGTCT
GGCTTGGTGAGTCTGTGTGGTCAGCAGTCTCTGATCCGTGCAGGGTATTAATGTGTCAGG
GCTGAGTGTCTGAGATTTATCTAGAGGCTGGGAAGGGCTCCTGAACCAGTTGTTTCCGT
CTTGTCGGTCTGTCAGGGTTGAAAGTCCAAGCCATAGGACCCAGTTTCTTTCTTAGCT
>EP07097 (+) Mm Amy-2^a I panc.; range -499 to 100.

TAGAGTACTTTCTATAAATTGGCAACTTGACAAAATCTTAACTTTTTTCATTCTCTCTT
TTACTAGTAGGTAGTAGGTGCATGGCACAATGCAGCATCTTAAATTAACGAAAATACT
GAAATAACAACAAAAAATCTTAAGTAGGTGAAACAAAAAGAAAAGAAATTGATAATCCCA
TTTCTATTTGGAATGGTGCAATACAAAGATTTAGAGATGAAACGTCCCAGATATATTGA
TTTCAGTTGTAATTCTCCTTGTACGGGTTGGTGGAGGTCACAAAAGTAAGATATAGTAT
CAGTCAATTAGTAATTGATATTTAAAGAATTAAGTTTATTCTCCATGGGAGTTTCTGAA
GAACCTTCAGCTGTGCACATCATTGCTACTAATCTCTTTGCAATGATAGACTGTACCTTA
AATATTTACTCATGAGCATTTACTTTGGAAAATGTACTTTTTGTAGAAATATAAATAGGC
GCTAGAGAGAAAGAACTGACAACCTCAAAGCAAAATGAAGTTCGTTCTGCTGCTTTCC

[illegible]

TGGTGCCTTCACCCTAACCATGAAGGGGGTAGTTCTTGACGCTTTCCCCATCCTCCCTGG
GGTCTAGAGAACACTCTTCAAGTTCAGTCTTCTCACAGCCAAAGGTGAGTGCTTGGGG
>EP24034 (-) Hs P450 IA1 +MC; range -499 to 100.

CGCGAGCCGGGACTCAGTAACCCCGGAAGGAGGTACCACGGGGCAGCCCCGCCCCGC
CTGCCGAGTCTGGTAGGCTGTAGCGCTGGGGAGGCATCTGCACGCCAGCGTTCCAGTG
GGTGCAAAAATGACGAAGAGGAGTCCCCGCGCCCCAGGATGGAGCTTCCCGTACCCTCTC
TTGGGCTGTCTGGGACTTCTCCCTCAAGCCCCCTCTCGGCTGGGTCTGCACTGCCC
TTGGGACGCCTTGAATTGGGACTTCCAGGTGTTCCAGCCCTCACCCCTCTATGTACAG
GCACCGAGATGTGTCCCATAGTGGGTTCTTGCCACCCGACCCCCACCCCCGCGCCCT
CCGCCACCTTTCTCTCCAATCCCAGAGAGACCAGCCCGTTTCAGGCTGCTTCTCCCTCA
TCTCAGCTCGCTCCAGGGAAGGAGGCGTGGCCACACGTACAAGCCCGCTATAAAGGTGG
CAGTGCTTCACCCCTACCCCTGAAGGTGACAGTTCCTTGGAACCTTCCCTGATCCTTG
ATCCCAGGCTCCAAGAGTCCACCCCTTCCAGCTCAGCTCAGTACCTCAGGTGAGTTGCTG
>EP11121 (+) Hs P450 IA1 +TCD; range -499 to 100.

TTCTCACGCGAGCCGGGACTCAGTAACCCCGGAAGGAGGTACCACGGGGCAGCCCCGC
CCCCGCTGCCGAGTCTGGTAGGCTGTAGCGCTGGGGAGGCATCTGCACGCCAGCGTT
CCAGTGGGTGCAAAAATGACGAAGAGGAGTCCCCGCGCCCCAGGATGGAGCTTCCCGTAC
CCTCTCTTCGGGCTGTCTGGGACTTCTCCCTCAAGCCCCCTCTCGGCTGGGTCTGCA
CTGCCCTTGGGACGCCTTGAATTGGGACTTCCAGGTGTTCCAGCCCTCACCCCTCTAT
GTACAGGCACCGAGATGTGTCCCATAGTGGGTTCTTGCCACCCGACCCCCACCCCCGC
CGCCCTCCGCCACCTTTCTCTCCAATCCCAGAGAGACCAGCCCGTTTCAGGCTGCTTCTC
CCTCCATCTCAGCTCGCTCCAGGGAAGGAGGCGTGGCCACACGTACAAGCCCGCTATAA
AGGTGGCAGTGCCTTCACCCCTCACCTGAAGGTGACAGTTCCTTGGAACCTTCCCTGATC
CTTGATGCCAGGCTCCAAGAGTCCACCCCTTCCAGCTCAGCTCAGTACCTCAGGTGAG
>EP07080 (+) Rn P450 IIB2 +PB; range -499 to 100.

TTCTTGCTCAACTCAAACATAATCACATGTACCCAGGACACAAAAACATACAGAGAAGCC
CCAATAATTTAAGATTATACATGTAAATATACCCTAGACATGCAAGAAAAGACCACCCAG
TGCATCTAGACTCAGACAAAGAAATTTACATCGGTACGTTTATATCAGAAATGATCTTTC
ACATAGGAAAAGCATATAGAACACGCACACACACACACACACACACACACACACACAC
ACACAATCCCATGCTCTAGTAAGTAAACAGAGCTGACAAAACAGTTGACAAGTGACACA
CCCATTTACATAAAACAAGAGGCCTAAGTCCCAGTGGCTTTTGTCTGTGTATCTGTTT
CGTGGTGTCTTGCCAACATGTATGGTGTGGGTAAAGGAATGAGGAGTGAATAGCCAAAG
CAGGAGGCGTGAACATCTGAAGTTGCATAACTGAGTGTAGGGGAGATTACGCATAAAAG
ATCCTGCTGGAGAGCATGCACCTGAAGTCTACCGTGGTTACACCAGGACCATGGAGCCAG
TATCTTGCTCCTCTGCTCTCTTGTGGGCTTCTTGTACTCTTAGTCAGGGGACACCC
>EP33019 (+) Rn P450 IIC6 +PB; range -499 to 100.

AGCTTCTGTAAGGCAAAGGACATAGTCAATAGGGAATATCAGCAGCCGACAAATTAAGGA
AAATTATTTCACTAACTTGACCTCTGATAGAGGGCTAATATCCAAATCTATAAAGAACT
CAAAAAGCTAACCATCAAAGAACCAACCAATGAAAAATGGGGTATTAATATTTA
TAAAGTTACAGTTATTGAGAACTGCTTGTGTAATGTCTGAGGTAACAAATATTTCAATTA
TACACACAGTTAAATATACAGTTAACTTGGGCATGGTGGCTCATGCATATACTTCTAAC
CTTGGGAAGGTCAAGCAGATAAGTACACAGTTTGAGTTATATCATGAGATGTTTAAGAAC
GAAGAAGAGCTTATTTTTGTTATTGTCCCTAGGATAAAGTTCATGTAAAAGAAAAAGATC
AGCAGGTAGCTGATTAGTCAATTATGCAATATTGATTACAGCAGCCACATGATAAAGCTC
TATGCTTCTCGGCAGAGCTGTGTCAATAAAGAGAACTCAATGGATCTGGTCATGTTGCT
GGTGTCACTCTCACCTGTCTTATTCTCTGTCAATCTGGAGACAGAGTTCTGGGAGAGG
>EP35073 (-) Hs P450 XVIIIA1 CYP17; range -499 to 100.

AGCCCTTATCGCTGCCAAAACACATGGGCTGGAGGGCCAGGGCTGCATGGACAGTCACA
CCACTGCACACACAGCCTGGTGTAGGAGCAAGACTCTGAAAAAAGAGAGCATAAA
AGACCTTTAACAGTCCCTGCTACTTGTGACCCTCTGAATCTGTCTGTCCAGTGATT
TTGATTTTGCAACATGGAAGTTCCAAGCCTTGACTCCTGAGCCCAGATACCATTCGCAC
TCTGGAGTCATTCAAGCATGGGGAGCTCCTCAGAGGGTGATCAACTGACCTCCCTTACCT
AGCTCCTCCTCCGAGGTTTGCCCTGGAGTTGAGCCAGCCCTTGAGGAGGCCTTCACTCC
CACCCTCTCTCCCTTCTGGATATGAGCTCAGGCCTGGCTGGGCTCCAGGAGAATCTTT
CCACAAGGCAAGAGATAACACAAAGTCAAGGTGAAGATCAGGGTAGCCCTTTAAAGGCC
TCCTTGTGCCCTAGAGTTGCCACAGCTCTTCTACTCCACTGCTGTCTATCTTGCCTGCCG
GCACCCAGCCACCATGTGGGAGCTCGTGGCTCTCTTGTGCTTACCCTAGCTTATTTGTT
>EP35053 (-) Ss P450 XVIIIA1 CYP17; range -499 to 100.

TGAAAAAGCAGCAAAACAGGAATCAGGAGACCTGGGTTCTTGTCATTACCGTCTTGTGTG
ACCTTATGCAAGCCTGCCTTTTGAGGGCCTCACTTCTCAGCTGTAAATGATAAGAAT
GGATAGAATATCTTTGACAATATCCCTGCTAGTTATAAAGCTCCTGACAGTGTGAGCTGT
CTATTGATTGAGATTTTACAACACAGAAAGTCCCAAGCCTTGATCGCTGACCCAGATACC
ATTTGCTTCTGGCACACTCCGGAGTTACTGGACAGGGAGGAGGGGAGGAGCCAGCCGAG
CCCCTTACCTAGCCCCACCCCTAGAGGCTTGCCCTGAAGTTGAGCCAGTCTTGAGGAGG
CCTCCACTCCTCTCCCCATTCTAGGAGAGGGCTCCGGTCTGGCTGTGCTCCAGAATAAAC

TTCCACAAGGCAAGCGATAACATAAAGTCAAGGTGAAGATCAGGGCAGCCTTTAAAAAGG
GCTCCTTGACCCCTAAGTGGCTGAAGACACTCCAGAGCTGTCTGTCTGCCTGCCGCCAC
CTGGCCACCATGTGGGTGCTCTTGTTTTCTTCTTGCTCACCCTCACCTATTTATTTTGG
>EP35052 (+) Rn P450 XVIIA1 CYP17; range -499 to 100.
TTCTCGATACCTGACGGCCACAAAACCTAGGACTTGCGGTTTCTTAGCACCCTGTTT
TGTGTGACCTTATGCCGACTAACCTTTGAAGATCTCTTCTCCTCAACTGTCAGATAGTA
AGACTGCAGTCTCTGTAACCCGATGGCAGTAATTATTAACCGTATAGCACTTTGACATTA
CAGCACACAGACTCTAAAACCTTGATCTCACTCTGATAGCATTTGCCTCTGGGAGGATCC
ATAGCGCAAAAGCCCCAGGAAAGGACCAACTCTCTGCTCCTTTACCAGCTCCTCCTCTA
GGAGTTCTGCTCGAATCTGAGCCAGCCCTTGAGGAGGTACATTCCCTCTCCTCTCCCAT
TCCTCCCCCTCTGCCTTCTCTGGTTGAAGACTCAGGCTTGAATCCATTCCAGGATAAACT
TCTTCAGGCCAAGAGATAACTCGACGTCAAGGTGACAATCAGAAACGCCCTTTAAAAGTC
CTCCTTCTTGTTGAAGTTCGTCGCTCCACAGCTGGCCATCTGCCTACACCTGGCTGCC
ATGTGGGAACCTGTGGGTCTCTTGCTGCTCATCCTAGCCTATTTCTTTTGGGTCAAGTCA
>EP15038 (+) Hs P450 XXIB (C21); range -499 to 100.
GGAATGCCCCAGGCAAAACAGGCTTAACTGTATTACTTATCTGTAGCTTAACTAACA
AACAAACCACACAAATCACATTTTGTCTTCAGGCGATTAGGAAGGCCTATTAGGCAGG
GACTGCCATTTTCTCTCTGAGACAAACATCATGCCAGTAAACTGGCCACGGTGGGGTGG
CAGAGGGAGAGGGCCAGGTGGGGGCGGACACTATTGCCTGCACAGTTGATGTGGAACCA
GAAAGCTGACTCTGGATGCAGGAAAAAGGTGAGGTTGCATTTCCCTTCTTGCTTCTTG
ATGGGTGATCAATTTTTTTGAAATACGGACGTCCCAAGGCCAATGAGACTGGTGTCAATC
CAGAAAAGGGCCACTCTGTGGGCGGGTCTGGGAGGGTACCTGAAGGTGGGGTCAAGGG
AGGCCCAAAACAGTCTACACAGCAGGAGGGATGGCTGGGGCTCTTGAGCTATAAGTGGC
ACCTCAGGGCCCTGACGGGCGTCTCGCCATGCTGCTCCTGGGCTGCTGCTGCTGCC
CCTGCTGGCTGGCGCCCGCTGCTGTGGAAGTGGTGAAGCTCCGGAGCTCCACCTCCC
>EP23004 (+) Hs ALDH_2 mit; range -499 to 100.
GCGGATCATGAGGTGAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACACGGTGAAACCCCGTCTCT
ACTGAAAATACAAAAAATTAGCCGGGCGTGGTGGCAGGCGCTGTGGTCCCAGCTACTCC
GGAGGGCGGAGGCAGGAGACTGGTGTGAACCCGGGAGGCAGAGCTTGCAGTGAGCCGAGAT
CGTGCCACTGCACTCCAGCCTAGGCGACACAGTGAGACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAGAATAAGCAAATCATGCAAATCATCTGTTCTAACTCTGAACCGCTGCTTCCA
AGACCGTCCCTGCCCTTGCCCTGGCCGCTCTCTCCTTGTTAACTGGGCTCCATTCAATC
TTTCCATTTCTTAACACGTGCCAGGTGGTCTCATCTCCTGGCCTTTGCCCTTGCTGTTT
CCTGTCAATTCAGGTCTCACTTGTGCTATTTCCTGACCATGGTACTTATAAAAGCAGTGC
CGTCTGCCCCATCCATGTACCTCGTTCTCTCCTTACCTCCGAAATGATCTCGCTTTT
GGGTTTACGGCCGGTCTCTTACCTGGAGCATCAGCCGGGAAGGTGAGGGTGCCTGGC
>EP07053 (+) Hs SOD-1; range -499 to 100.
AGGGGAAGAAAAGGTAAAGTCCCGGATTGAGGTGTAGCGACTTTCTATACCTCAGAAAA
CTAAAAACAAGACAAAAAATGAAACTACAAAAGCATCCATCTTGGGGCGTCCCAATT
GCTGAGTAACAAATGAGACGCTGTGGCCAACTCAGTCATAACTAATGACATTTCTAGAC
AAAGTGACTTCAGATTTTCAAAGCGTACCCTGTTTACATCATTTTGCCAATTTGCGGTAC
TGCAACCGGCGGGCCACGCCCCCGTGAAAAGAAGTTGTTTTCTCCACATTTGCGGGTTC
TGGACGTTTCCCGGCTGCGGGGCGGGGGGAGTCTCCGGCGCACGCGGCCCTTGCCCCG
CCCCCAGTCATTTCCCGGCACTCGCGACCCGAGGCTGCCGAGGGGGCGGGCTGAGCGCG
TGCGAGGCGATTGGTTTGGGGCCAGAGTGGGCGAGGCGGGAGGTCTGGCCTATAAAGTA
GTCGCGGAGACGGGGTGTGGTTTGCCTGCTAGTCTCCTGCAGCGTCTGGGGTTCCGTT
GCAGTCTCGGAACCAGGACCTCGGCGTGGCCTAGCGAGTTATGGCGACGAAGGCCGTGT
>EP11120 (+) Mm GSHPx; range -499 to 100.
TCACCGAGTGGAAGGAGAGAACCAACTCGACCTCAACATGCATGCTCCTTCGATTTAAT
TAAACAATAAGTGTAATTAACCTATGTTTTTAAACCTATAACCTTATGACTAGAAAC
GTGTGGGTAAAGTTACACAATATAAGGGAGCTGTGCGTGAGCTGCTTTAGCCGTTGTTAT
TGCCAGAGGCCATCTTCTAGGCGGGACTCTAGACTAATTAAGAAACGGTTGAGTAAGAC
AGAGCTGGAAGATCCCCGCCTAAGCAAGCAGCTTCTTCCAGACTAGTGCTACAGGAGCT
AGACCAGACCCGCCCTAGGCACCTCCAGGCGCTTTAGCCCGGCCGACCCTCTTCCCTGT
TCCTCGATGGGGGAGGGTAGAGGCCGATAAGGCGGGACCCTGAGACTTAGAGCTGGCT
GCCAGCCGGAAGAAAGCGATGCCACGTGATCTCAGCACCATCCAGTTAAAGGAGGTGC
AGGGCCCTGTGAGCGCTAGTACGGATTCCACGTTTGAGTCCCAACATCTCCAGTATGTGT
GCTGCTCGGCTCTCCGCGGCGGCACAGTCCACCGTGTATGCCTTCTCCGCGGCCCGCTG
>EP26004 (+) Mm GST Ya; range -499 to 100.
AGAAAACAAGCAGGGAGCAGTGTGACCTGTTGTCCAACCTTAGCCTTGAATTTGAGACAA
GCGTTAATTCTGCAATTTAGGGCTACTTAACAAGCCATCCCTGAAATCCAATAGTTCAAT
GTCACATTGTTACATAGCAGAGGGTTCTCAGGGTTGACTCTGTGGTATTATTTCTGCTCC
TAGTGAGTTTCCCTCCTTCTTTTCTTCCCTTCTTAGCCAAGATGTCTCTTTCAGGTTAC
TCACAGGATCATGGAGAGGAGAGGTGACTTAGAGGCCATAAACATGACACCAAGAACTT
CATGAATGGAGCCAGATCTTCAGGGAAGGTGGTGGCTGTGTCAGCCCCCTCCCGATGATTT

GGCACCTTTCTAGTCTATCATGAACTCTGGAATCTTGGACTCTGTGTGTGTCTGTGGGA
GGGGCTGTTCCCTATTTGTCCCCACACCCTGGGTAAGAATTGTACCTTACTAAAGTAGC
GTGCACACTCCTCTGGAGCTGGACTGGGAGCTGAGTGGAGAAGAAGCCAGGACTCTCACT
AGGTCACTGTTCTCTTATAACCTGTGGAACCTCTTCCAGGTCTGCAGCACTGCAAAAC
>EP30001 (-) Rn GST Ya; range -499 to 100.

TTCATCAGACAAAACAAGCAGGGGGCTGTCTAACCTGTATGTTCAACTTAGCCTAGAATT
TGAGACAGTGCATTAATTCTGTAGTTTAAAGACCACTTAACAAGCCATCTCTCAAATCCAA
TAGTTTAATGTCACAGTGTACATAGCTGAGGGTTGCGAGGGTTGACTCTGGGGTACTAT
TTATGCTTCTAGGGCAGTTTCCCTCCTTCTTCTTAACACGGCGTCTCATTAGAGTTA
CTCACAGGGGCACGGAAGAGTGGTGATTTAGAGGACCATAAGCATTAAACCAAGGAATGC
ATGAATGGATCAAGCTCTTACGGAATGGCAGCGCCTTGTCAAGCCCTCCCCCAGTTTG
TCACCTTTCGAGTCTATCACGAAAGTCTGGAATCTTGGACTCTATGGGTGTCTGTGGGAA
GGGCTGTTCCCTATTGGTCCCCACACCCTGGGTAAGAATTGTACAGTATTAAAGTGGCG
TGCACACTCCTCTGGAGCTGGAGTTGGGAGCTGAGTGGAGAAGAAGCCACGATTCTCGCT
AGGTCACTACTCTTTTACAACCCGGGTGACCTGTTCTCAGGTCTGCATGACTGGAGAA
>EP23006 (+) Gg CA II; range -499 to 100.

CAAAAAGCGGCACCCACGGGGAACGATCCCGCACCCCCCGCACTCCGCCGGCCCGGCCCGG
CCGTGCCCGCGCACGGAGCCGTTCCACGGCCCCCAGCAGGGCGCAGCAGCGGCACGCC
GCCCCGCGACCCCGCTCGCCCCCGACGCGCTCGAACGGACGCGCCTCGCTCCGCCCGCG
CTGCCCCAGCCCAAGGTGCGACGCCCCCGGGCGGGCACGGCCGGGAGCCCGCGTGATG
CGGTGCGGGCGCGATGCGGTGCGGGACACGGCTGCCTCTTGCCCCCGCCGCGCGCACTG
CGAGCCGTTTGGCGCCCGGCCGGGCCGACGCGGCTCCGCGGGGGAGGATCGCGGGTTA
TAAGCGGACCTCTCTCTCCGCCCGGAGCGAAGTCTCCCTCCGCCCGCCCGCGCTC
CCCACCCCTTCTCCGGCCCGGAGAAGGGCATGGAGTTGCGGGAGCCTATAAAAGCCC
CTGACAGCCCGCGAGGCCACGGCGTTGCGATAGCCGACGGAGCCGGGCCGGCGCACCAT
GTCCCATCACTGGGGGTACGACAGCCACAACGGTGAGTGTGGGGCACGGCGGGACGCCCT
>EP26020 (+) Hs CA III muscle; range -499 to 100.

AAATAAACTCGACAAGTGTCCAGAGATCGTAGCCAGACAGCCAGCCTGCGCTTGAACGA
ACTTTTAAGTGAGGCTGCAAGAGCCGCCGGGATGTAGATTTTAGTTCTGTGGCCAAGCACA
ACTACGACGATCCTGTCCCTGCCCCACCCCATCCCCAAGAATGCATGGAGGAAGGAGAGA
GGAAGCAGGTGAGGGCCGCTGCATTTCTGCACGTGCGCGCCGGTTAGAAACCTGCAGT
TTTGAGAGAGAAGAAGAGAGATGGAGGGGCCAGGAGCCACGACTCCCGGGAGAGCGCAG
GGAGGGCGTGGGTGCTCCCTCGCCACCTCCGCCCGCTCACCTCGACAGCTGTCCCGC
TCTTGGAATTCTATTGGCTTCTCTACCCGGCCTCCAAACACCACCCCAATCTAGTTTAG
CCCCCGCCCCACCCTCGCTGACCTAATAAGGCCATGCAAGTGTGCGGGGGAGCTACATA
AAAGCGCGGGCTCGCGCCGACTCTGCACCACGCAGGGGAAGAGAAAGCAGGAGCCGTCCA
GCACGGAGGAAGGCGACCATGGCCAAGGAGTGGGGCTACGCCAGTCACAACGGTGAGTGC
>EP68001 (-) Hs CA2; range -499 to 100.

GAGGGCTCCGGGGCCAAGAGACAGGTACAAATGGGGACAGGGGACGAAAGGCGCCGGGGG
TCCGGGTCCCGAGCAGTCCCCGCCGCCAGACTCCGACGCCGGGAGGGGGATGGGGTG
CGCGTAGAGGCTCCGCGGCCCGGGTTGGACGGAGGAGCCAGGAGCCACCGCAGCCGCCG
CACGCCCAGAGCTCCGAGCTTCGCTGCCAGCCAGGACACCGGGGCCCTGCCGTGGGCCG
AGGGGAGCCGGGCGGCGGGAGAGGAGCCCCGGAGCCCCGGAGCCCCGCCCGGG
CGCCAGCCGAGAGGGCGTTTTTCCCCGCCCGGAGACTCGCCCCGCCCGGCCCGCCCCGCC
CCGAGCGCGGGGAGTTCACCTCCGCCGTCAACACCTCCCTTGTGCGCTAGGTCCACCC
GAGCCCCCTCCCCGGGCCGCCCGGAGCACGAAGTTGGCGGGAGCCTATAAAAGCTGGT
GCCGGCGCGACCCCGGACACACAGTGCAGGCGCCCAAGCCGCCGCCAGATCGGTGC
CGATTCTGCTTCCCGACCGCCAGCGCACCATGTCCCATCACTGGGGGTACGGCAA
>EP27013 (+) Mm MCK; range -499 to 100.

GTTTCAGGCTAGCCCTGTCTACAGAGTAAGGCCCTATTTCAAAAACACAAACAAATGGT
TCTCCCAGCTGCTAATGCTACACAGGCAATGAAGCCTGGTGAGCATTAGCAATGAAGGCA
ATGAAGGAGGGTGCTGGCTACAATCAAGGCTGTGGGGGACTGAGGGCAGGCTGTAACAGG
CTTGGGGGCCAGGGCTTATACGTGCTGGGACTCCCAAAGTATTACTGTTCCATGTTCCC
GGCGAAGGGCCAGCTGTCCCCGCCAGCTAGACTCAGCACTTAGTTTAGGAACCAAGTGAG
CAAGTCAGCCCTTGGGGCAGCCCATACAAGGCCATGGGGCTGGGCAAGCTGCACGCCTGG
GTCCGGGGTGGGCACGGTGCCCGGGCAACGAGCTGAAAGCTCATCTACTCTCAGGGGCC
CTCCCTGGGGACAGCCCTCTGGCTAGTCACACCCTGTAGGCTCCTCTATATAACCCAG
GGGCACAGGGGTGCCCCCGGGTCAACACCACCTCCACAGCACAGACAGACACTCAGGAG
CCAGCCAGCCAGGTAGGGAAGTGAAGAAATCACTGGGGTGGGAGTGGGGCGTGGGAGTCC
>EP30066 (-) Rn creatine kinase B; range -499 to 100.

ACCAAGAACACCCAGGAGATGCCCGCAGGCACCTTGAGGAAGGTCACTCCCCTGTACCG
TTTTGTACCGCTGGATGCAGTGGATGGAAGCCGTACCCCATGCTAAAAACCTGGTATCT
CTTGCCATGACCCCTCAACACTGCTGTGCGCCTGACAAGGCAGGAAGCAGGGAAGGCAG
GAACCTCAAGTGCTAACTGGCTTTCAGACTCAGTTTCTGCCCGAGGCAGTGTGTGTG
AAGCAGGTCTAGGGTATCTACGGTCTGGGATTTCTGTTTCGAGATCTGAGCGAGCGCC

ACGGGGTTGACCAAACTGCGCAGCGGGGTCGAGACTTGGGGACCCATGGGGTGGGCCGCT
GGGGGTGTGAGGGTTGTTGCCCTCGACAAAGCGGCGGACCAACCCAAAGCGCGGGCCA
ATGGAATGAATGGGCTATAAATAGCCGCCAATGGGAGGCCGGCGACGCGCCCCCTTAAGAG
CTCAGGGAGCAGCGAGCGGCCGTCGTTCTTCTGCGCTGCGCCCGGAGCTGCAAGCACAAG
CAGTCTGCGTTCCTGCTCCGTCGGAATCCCGGTGAGCGGGTCGGAGGGTGAGGGGCTAG
>EP30047 (+) Hs CKB; range -499 to 100.

CGCCCAAGGAAACGCCTGCGGGCACCTTGAGGAAGGTCGGCGGCTCCGGGCCAGCTCGCAC
TGCCCGGGGGTGGGGCGGGGGCCGTACCTGCTGCGGAAGCCCCGAAAGCTTTCGCCCGGC
CCCTCGCCGCCCGCGGGGGGCTGGCTGGACTAGGCGGGCAGGCTCGAGGATGCGGATGA
ACCCAAGCGTCTCTGAGTGCCCGGAGGCTCTCCGCCTCAGTTTCCCGCCAGAGGCAAGG
GCGTGCGAGGGGATCCAGATATCCAAGGACCTGAGGTTTCGGCCTCGAGGTCTTGGGCGG
GGGACTGGGCAGGCTGCGCGGGGTCCCAGCGAGGGGACAGCTCGGGTGGGCGGCCAGGGT
GTTGGGGGCTGCGGGCGGGCGACAAAGCGGCGGCACCAACCCCGCGGCGGGGCCAATGGA
ATGAATGGGTATAAATAGCCGCCAATGGGCGGCCCGGCTTGTGCCCTTAAGAGCCGCG
GGAGCGCGGAGCGGCCGCTGTTGCGCTGCGTCGCTCCGGGAGCTGCCGACGGACGGAGCG
CCCCGCCCGCCCGGGCCCGCGGTGAGTGGGCCCGGGGGCCGGGGGCTCCGCGCCCG
>EP30040 (+) Gg prolyl 4-hydr. b'; range -499 to 100.

ACGGTCCGGGGCTCACTCGTGAACGCGGCCCGTGGCCCGCTCCGACCCAGCGGTCTG
GAACTACACGCCCGGTACGTACGTGCCCGCACGGTCCCTAGGCAGGAGAGGGCGCAA
AGGAAGAGGGCGCTTTCCTTCCGGTTCGAGTCAGAGGGCGGTGGACACGGCAGTCAGAATC
CACCACGCTCGTCTCCCTTCCGCGAGGCCATTCCCCCGCCGGACCGCCCAACTGCCACGT
TCGACGGCAAACGGCCGCGCGAGACAGAGACGCCGGCCAATGGTGGCACGCAGCGGGGAA
GAAGACCAATGGCGGCCCGCGGGAAGAGAGAGAGCCGACGGCCAATCCGCGGCGGGCGG
GGGGCGCAGAACGGGCAAAACAAATGGGAGCCGCGGCTCGGGCCGACCGAGCAAATGACG
GACGGCGGCGGCCAGCGGCCACCAATGGGGCGCGGCGGCGGTGGGAGCGGGTTTATAA
GGGACGGCGCCCGCAGCCGACGCCGCTCCGCGCGTCCCGTCTCAGCGCGCCATGGCCG
TGGTGCGCGTGCGCGGATCGTAGCGCTGCTCTGCTCTGTGGCCGCCCTCGGCTGGCGC
>EP70008 (+) Hs ACP2; range -499 to 100.

GTGTCCTGCACCCCAAGCAAAACATCTCTGGAGAACAGGGCTCAATCTCCCCA
CAAAGGCAGGGGCGTGGAGAGAAGCGACCTCTACTTTCCCATCCCTCGCTCAATTCTGC
ACCCGATCTAGCTATGGGGTCAAGCCTGGAGGGGACGCTGGTCTCCAGACATGGTCCCG
CCCCTGCAAGTGCCACCTTGGTAAGGGATTCTCCGAGCAGAGGCAACGCGAATTTGT
GGCCTTCTTAATCAAGTAGGTTCTTCGAGCCCTGTCTGCCGCGCAGGTGCGGTTACCT
TCTTATGCTCTCCGCGCACAGCCAGCACGACCCTCCTGCACGCAATCCACCGAGACT
GCGCCTTTTCCCGCACCCAGCAGGTCCCTAAGTAAGATGGCGGCGAACGCACTTCCGG
CGTGTGCTCTTACGGGTGCGTCCGGGCGGCTGCTTGAGGTGCCACCCAGCGGGTCCAG
CTTGTTTGTGTCATAGATTACAACGGTGATGGCGGGCAAGCGGTCCGGCTGGAGCCGGG
GGCTCTCTCCAGCTCCTTCTCGGCGTGAACCTGGTGGTGATGCCGCCACCCGGGCCCC
>EP30009 (-) Rn preprotachykinin; range -499 to 100.

GTAGAAATGAAAGGAAACCCCGCTTGCTTCATCCCTCTGAAGTGCTTGCTGGTGTCTTA
GTATTATTACAAAGTTTTGCTGCTCAAGTTATTTGGCTGTCTCAAAGCGCAATATTCC
CTGATGCCTCTTGAGAGAAAAGTTCCCTAAGTCCGAAGCATGAGTCACTTCGCTCAGTTT
TGATGAGTAATCTCAGGTGTCACTGAACCTTGTTCCGAAGAAGAGGGGAGGGGGCGTCA
GATTTGCAGACGGAAGAAAACAGGTCTCTCTGGATTGGATGGCGAGACCTCGACTTCCCT
AAAATTGCGTCATTTGCAACCAATTTGGTCCAGATGTTATGGACTCCGACGGGTACCG
TCTCGAAACTCTATCACGCAAGCAAAAGCGAGGGGGAGGCTAATTAATATTGAGCAG
AAAGTCGCGTGGGGAGAGTGTACGTGGCTCTCCAGGCTCATCACGCTGAGATAAATAA
GGCGAAGCAGGAGCAGGGACTAGAGCGCACTCGGACCAGCTCCACTCCAGCACCGCGCG
GAGGAGAGCAGGAGCGCCAGCAAGTGCGCACCTGCGGAGCATACCGGGTCCGACCGC
>EP11122 (+) Bt preprotachykinin; range -499 to 100.

ATAGGGGGGAATGCCCCCCCCCATTGGAGTTCTCCTTTCTAGCCTGATTTCCGACAA
ATTTTAATATCTGAAGTTATTTGGCCATCCTTAGAAGTGCAACGTATCCTCTCATGGCAC
GAAAAAGTTGCCTAAGTCCGAGGAATGAGTCACTTTGCTTTGATGAGTAATCTTAGGTGT
CATGGAACCTCGTTCGGAAGAAAGAGGGGAGGGGGCGTCAGATATGCCTACGGAAGAAGA
CAGGCCGCTGGGTATTGGATGGCGAGAACTCGATATTCCTATAATTGCGTCATTTGAAAC
CCAATTGGGTCCAGATGTTATGCGCACCGACGGATTACCGTCTCGGAACTCTCAATCAG
ACGCAAGCGAAAGGAGAGGAGCGGTTAATTAATATTGAGCAGAAAGTCGCGTGGGGAG
CGCGTCACGTGGGTCCCGAGACTCGTGGGTCCCGAGACTCGGCGAGCCTGGGATAAATAC
CGCGCGGCAGCCAGCAGGCAAAAGAGCGCGCTGCTGACCTCCTCCATCCTTGCTGCGACC
GAGAGAGTGCGCAGCGCCCGCGAGTGCTCAGACCAGCAGAGGAACCTCCCGGGCGGGTC
>EP07107 (+) Hs preproenkephalin; range -499 to 100.

GGTCAATAAATGACGACATTCGGACGGCTGTGCTTGGTGCCACGGGGACCCGCGAGGG
GGCCCAAGGAGGAGGCGGGAAAGGGGCAGGTTACCGGCCCGCTGGGTCTCCAGCACATT
CCAGAAGTCTAAGCCAGTCCATCTATCCTTCCAAACGCCCCACCTCGCTTCCCTCCCTG
GAGCCCGCATCCACGGTGCAATTTCACTGACTTTATGCGGAGAACTTGATCCTATCTC

ACTCTCCCCAACTTCCTAACTGCCTTGGGTTTGTACCTGGCCGTGTGGGGAGCCACCG
AGCGCCCCCTGTGGCCCCCACCAGAGCTCGGCGGGGGAGCGGCGCGGGGTGCTGGGGG
ACCGACCCCTCCCGCAAGGCGTCGGCGGGGGCTGGCGTAGGGCTGCGTCAGCTGCAG
CCCGCGGCGATTGGGGCGCGCGCCTCCTTCGGTTTGGGGCTAATTATAAAGTGGCTC
CAGCAGCCGTTAAGCCCCGGGACGGCGAGGCAGGCCTCAGAGCCCCGAGCCTGGCCCCG
TGACCCCGCAGAGACGCTGAGGACCGCGACGGTGAAGCCCTACGTCCGCCAGCACACCCG
>EP07100 (+) Rn preprovasopressin; range -499 to 100.

CTGTGGCCGCTAGCCCATGAGGCTGCGCGTGGGAATTTCTTCTGAAAGCTCACCTGGTA
TCGATGCTTCTCTTCTCTACACCACAACTAACAAACCTGCCCCACCTCCTGGTCCTGA
CCCTGCTGCAGACCTGCTAGTCCTTGGTGAATGAGACCTGGGGACCCCTCTAGTCTGTTG
AGAGCTGCTGAAATGCTCAACTATGATTTCCAGGTGACCCCTCAAGTCGGCTCACCTCCCT
GATTGCACAGCACCAATCACTGTGGCGGTGGCTCCCGTCACACGGTGGCCAGTGACAGCC
TGATGGCTGGCTCCCCCTCTCCACCACCCTCTGCATTGACAGGCCACGTGTGTCCCAG
ATGCTTGAACTACTGCTGACAGCTTGGGACCTGTACAGTGTGGGCTCCTGGGGAGCCACT
GGGGAGGGGTTAGCAGCCACGCTGTGCCTCTTAGCCCAACACCTGCAGCATATAATAGA
CAGCCCAGCCCGCTCAGGCAGCAGAGCAGAGCTGCACGCAGTGCCCACTATGCTCGCCA
TGATGCTCAACACTACGCTCTCTGCTTCTGAGCCTGCTGGCCCTCACCTCTGCCT
>EP11123 (-)Bt preprovasopressin; range -499 to 100.

TCTCACGGGACTAATCCCCAGATGGGGTCTGCATACCGACTGTCCCCTGCCACCACT
CCTGGGCTGGGGCCTGACTTACTCCTTACCAGCAGCCCTGGGTCCCCTTGCCCCCTTCT
CTGGGGTCTGTGTGAGGGGACAGGGCCTGTTGACCCTCAGCCTCTTCTGGACACCAGAAA
GCTTGGAGACAGTTTCCAGGTGACCCCCCTCATCCCCGTCTGTCCACCTCCCCAAGTC
TAGAGAGCCGCAATCATAGCCGCAGCAGCTCCTGTACACCCGCAGCCACACCGTGCCTA
TGACAGCCTGGAGGCCAGCATCCCTCCCCACCCTCCCCTGCACAGGTCCACGTGCGTCC
CCAGATGCTGAATCACTGCTGACGCCTGGGGACCTGGAGGCCACGGGCTCCTGGGGAGC
CACTGGGGAGGGGGTGGCGCCACGTCACTTACAGGGAACACCTGCAGACATAAATAGG
CAGCCAGCGAAGGACATCGCAGCAGCTGCACAGAGCAGCAGTGCAGCACTGTGCCACCCG
TGCCAGGATGCCCGACGCCACTGCCCGCTGCTTCTCAGCCTGCTGGCCTTCACTC
>EP07101 (+) Rn preprooxytocin; range -499 to 100.

TTTTCTTTCTTTTACITTAATTTTGGTCTGTTTGTTGTGTTTTTGGGTTTGATTCTACT
GATATTTTGTTTACGGGCTAGTTAGAAGAAGGGCTGAGCTGCACTCAGAGATTGAACAA
GATCCTTTTCCCCATCTAAGCTTTAGATCCACGTAAGGGCTTCTCACCCACTTGCGCTA
TCCAGCCTCATTCTGAGGTATTGGATTCTATGAAAAACAGCTCCTGGCTAGGCTGCACC
TCCACCCCTCCAAGTCTCTTATCCTCTTGTAGCTTAGGCCTCCCTTCCAGGCTGTGT
CCCTTTTGAAGTCCAGGTCATTAGCTGAGGCGGTGACCTTGACCCAGCCCAGACCCTGC
AAATGAAGGGCCTGCTTCTAAACAGTGTGGAACAGTTTGACCCAAGAGACCTGCTGTGAC
CAGTCATGACGATCACCTCTTTAGACTGGGCCCCACCATTGGCAGTGGCCAGGCATAAAAA
GGTCCGCTTGGGCTGGAGAAACCATCACCGACGGTGGATCTCGGATGAAACCAACGCC
ATGGCCTGCCCCAGTCTTGCTTGCTGCTGCTTGGCCTACTGGCTCTGACCTCCGCCTGC
>EP07102 (+) Bt preprooxytocin; range -499 to 100.

TTGGTGTGGGGAGCCGGGCTGGGGTTCAGGAAATCAGATTTTCAGGAAGAGAACTTGCTT
GCAGAGGGGAGCTAGGGAGTGTATGTGGTTGGCCAAGAGGGCAGATGGGGAAGTTCTGAA
CGAATCTCTTCTCTCTGAGAGGGCCCCAGTGTTCATCTGACCCCTACCCCCAAGGGATT
GAGAGTGGGCTCCATAGTCTCGGTTGGGCCGCAGCCCCATACTCCCTGTCCACCCTA
GGACCTAGGCCACCGCTTAGGCTCCCTGCCCAGAGCTGCTTGCTTCCCCCAAGCAGCACT
CGCTATCATCTCCCGGACCATTAGCCATTAGCCGACATAACCTTGACCCGGCACAGCCTC
TGCAAATGAGGGGGGCGCGCCGGGGGCGCAGGGCCTGACCCGCAGCGGCGCGCTGTGACCA
GTCATGCGGCTGCCCTCTTAGACACCGTTCGCCACGCGGGCGCCGGGCTTAAAGGCC
AGACCCGAGAGACGGCCGAGTCCCCGCCCGGAGACCCAGCGCTGTGCACCATGGCAGG
TTCCAGCCTCGCTGCTGCTGCTCGGCTCTGGGCTTGACCTCCGCTGCTACATTCA
>EP30037 (+) 0a CRF; range -499 to 100.

GGATATTTTCAGATGCTGAGGAGTTGCCTGGCACAGCAGGTCAGAGGAGTTAGGTGGGAG
AAGGGAGAGAAGTGTCCAGAGTTACCCCATCACAGGACTGTGTGTTGATAGACTTCCCT
TCCCCTTCTCTCCCCTCCATTCACTCTCTTTTCTGACCTTCCCTTTGGCCTTTCCTAGT
AAGAGGCCAGTATGTCTTCACACTTGGGAAATCTCATTCAAGAATTTTTGTCAATGGACA
AGTCATAAGAAGCCCTTCCATTTTAGGGCTCTTTGACGTCAATCAAGGAGGCGATAAATAT
CTGTTGATATAATTGGATGTGAGATTCAAGTGTGAGATAGCAAAAATTTCTGCCCTCGTT
CCCGGGCAGGCCTATGATTTATGCAGGAGCAGAGGCAGCGGAATCCAGCTGTCAAGAGA
GCGTCAGTTATTAGGCAAAATGCTGCGTGGTTTCTGAAGAGGGTCGACACTATAAAATCCC
CTTCAGGCTCTGGTGTGGAGAAATCAGAGCCAGTCCGTGGAGAGACAGAACAGGAAGA
GAAGAGGAAAAGAACAGAGTGGGAAGAGAAAGGAAGGGAAGGAATCCCTGAAAAAAA
>EP30038 (-) Rn CRF; range -499 to 100.

AAGATCTTTCTGAGAGTACAACATGACAGAAAAGTTAGGTGGGAGTGGTGAGACACCAG
GAAATGTCCAAATCCACCCCTTAATGGTGGCTACCTTCTTGGCAGCTCTGCACTCCCCA
CCTCTTTCTCTCTCCCACTCTGCCTCTTTCTGGTCTGTATCTGGCCTATCATAGTAAGA

GGTCAGTATGTTTTCCACACTTGGATAATCTCATTCAAGAAATTTTGTCAATGGACAAGT
CATAAGAAGCCCTTCCATTTTAGGGCTCGTTGACGTCACCAAGGAGGCGATAAATATCTG
TTGATATAATTGGATGTGAGATTCAAGTGTGAAATAGCAGAACCCTGTCCCTCGCTCCTT
GGCAGGGCCCTATTATTTATGCAGGAGCAGAGGCAGCACGAATCGAGCTGTCAAGAGAG
CGTCAGCTTATTAGGCAAATGCTGCGTGCTTTCTGAAGAGGGTCGACGTTATAAAATCTC
ACTCCGGGCTCTGGTGTGGAGAACTCAGAGCCCAAGTACGTTGAGAACTGAAGAGAAA
GGGGAAAGGCAAAGAAAAGGAGAAGAGAAAGGAGAAGAGGAAGAAAACCTGCAGGAGGCA
>EP30039 (-) Hs CRF; range -499 to 100.

GTGTTGTCAGAGACACCTGGTCAGGGAGGTTAGGAGAAGGGGCATCCAGGTCCACCCCT
CCAACCTGGCTGCTGCTTTCTGGCAGGGCTGCACTGGGACACCTCACTTCCTTCCACTT
CCCCTTCTCTCTCCCATTCGCTGTCTCTTTGCACACCCCTAATATGGCCTTTCATAGTAA
GAGGTCAATATGTTTTACACTTTGGGAAATCTCATTCAAGAATTTTGTCAATGGACAAG
TCATAAGAAGCCCTTCCATTTTAGGGCTCGTTGACGTCACCAAGAGGCGATAAATATCTG
TTGATATAATTGGATGTGAGATTCAAGTGTGAGATAGCAAAATCTGCCCTCGTTCCTT
GGCAGGGCCCTATGATTTATGCAGGAGCAGAGGCAGCACGAATCGAGCTGTCAAGAGAG
CGTCAGCTTATTAGGCAAATGCTGCGTGCTTTTGAAGAGGGTCGACACTATAAAATCCC
ACTCCAGGCTCTGGAGTGGAGAACTCAGAGACCAAGTCCATTGAGAGACTGAGGGGAAA
GAGAGGAGAGAAAGAAAAGAGAGTGGGAACAGTAAAGAGAAAGGAAGACAACCTCCAGA
>EP24001 (+) Hs GRF; range -499 to 100.

TGCAACCTCCGCTCCAGGCTCAGGTGACACTCTTGCCCTCAGCCACCTGAGTAGCTGGG
ACTATACCATGTGCCAACATGCCAGCTAATTTTAAATTTTCTAGAGACAGGGTCT
CATTATGTTGCCAGGTTGGTCTCAAATCTGAGCTCAGGCAATCCACCCGCTCAGCC
TCCCAAAGTGCTAGGATGGCAGGTGTGAGCCACCGCCGAGGTTCTCCAATCACT
ATTATAGCAGTATATATTCTCTATATCCTCTTGAATAATGTTACACCTTTGACTATGT
CCACTGTGCCAAAGATAAAAGGAGACTTTACCAGGAGTCTAAGTCTGCAAGGGGCCAAAC
CTCTTTCACCAACAGGGTTTGTCAAGTGTGATATGATGCTAAAAACAGTCTTTGGTTGAC
TTGTGGGTAATTGATTCTCTGACGCTGACAACGCTTAGGAAAATGAAGAGATAAATGATG
GGAACGCCAGGCGGCTGCCAGAGCAAACACCCAGCCAGGGCCCTGGATTTGAGCAGTG
CCTCGGAGCAGAGGGATATCTGCCGCATCAGGTGAGAGGGGTGGCCCTGGGGGGCTAGG
>EP30077 (+) Rn THYL; range -499 to 100.

GCCAAACAGCCCATGAAC TAGTTGTAGCCTTAGAATTGTCATCATGGAAC TGGTTTCTG
CCTTGCCCTCTCCATTGCACAGATGGGAAA ACTAGAGGGGA ACTCAGCCAGTGACACAG
TCAAGCCCAGATGCCACAAGTCCCTCTCTCTTTATTTTGCTGCCACACCCTGCATCTG
TCTTGCTCTGGATGTCTGCGTGCTATTGTGCTTTGGTCCACACTCTTGCTCTCTTTCCA
TCGCGGACTACTCCCGGACGTCTCTCCCTCCCTTTGTTCCCTAGTCAGATGTTCTCTTA
GTCAACAGACCTCCGGAGCTGGGCGCAAACCTGCGCCAGCCGTGCTCCTCGCTCAGCCC
CCACCAGGTTTCCGGAAGCGGGCGGGTCCCCGGCTCTGCCGTGAGCACCCCTGTCTTC
GGCCTGCGCCCCCTCCCGCTGACCTCACAGGCGCGCGTCTCCAGCTCATATAAGCCTC
AGCCCCCTCTCGGAGGAGCGCGCAGTCGACCCTGGATTGCGGAGTATTGCAAACCTTACC
CAGCCAGTTTGACTCTTCAGCTCAGCATCTTGAAAGCTCTGCAGAGTCTCCACTTCGC
>EP30078 (-) Hs THYL; range -499 to 100.

CACTTGCCCCCATTCTCTCTCTCTCTCTTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTGCTCTACTCT
CGCCCGTCTGCGTTCTACATTGGTTCTGCGGCCGTGTCCTTTCTGTGTGTCTGCCCTG
TGTTTCTCCGTCGTCTCCGTGTGGATCTCGGTCTTTGTCTCGCCCTCTAGCTCTCTCGTG
CGCCTGTGTTAATCGTGCGTCTCTCAATCTCTCTGTCCCTCCCTTTGCCCCCTACAC
GCGTGTTCTCGTCAACAGATCTCCAGAGGTGGTGAGAAACGACCCCGCGCCGGCGCCCC
ATCCTGCGGCCAGTGCTCCGCGCCCCGGCTCCGGTCCCCACCGTCCCCGCCCCAGATTT
CCGGAGGAGCAGGCGGGCGGGTCCCGCGGGGCGGGTCCGTCAGCGCCCTTCCCGGC
GGCCGCGACCCCTCCCGCTGACCTCACTCGAGCCGCGCCCTGGCGCAGATATAAGCGGC
GGCCCATCTGAAGAGGGCTCGGCAGGCGCCGGGTCCCTCAGCGCTGCAGACTCTGACC
TGCCGACTGCGGATCCCGAGTCCCCGGATCCCGGACCCATCCTGTGGAGCCCACTCTGG
>EP29009 (-) Bt COLI (ACTH/b'LPH); range -499 to 100.

CATCACAGTTTCAAACGTTGGGAAATCAGAGGCATCACAGACGCACTCCCTGGGTGGT
GATATTTACCTCAAATGCGAAAGAGGCAGATGCCAGCCCAAGCAGGCACACAGGTAAC
TTGCCCTCTCGTTAATGATCTCAGCCAGCCCGCCAGGCCAGCCCCACACCGGGGTGCTA
AGCCTCCCGCTACCCCTAACTGGAGACCCAAAACCATCTTAATTAAGTCTTTCTGAC
GGCTGCCAGGTGTGCTTTCAGCAAGAGAGTGTTAATTCAGCCTCCAGGGGACAGAGAT
CCAGACCCCTTTCCGGGCACGTCTGCTCTCAGCCAGCCCTACCTGGAACCCCTCC
CGCGCCCCACGGCTCCCGCTTCTATGGACGGGGAGTTGCCTGTTACGTTGCAGCTG
CCGGGAAGTCCACTCAACGTCTAGCGCCCAACCCGGGCGGGCCCCGCAAGTATATAAAGAC
GGCGGAGAGCAGTGGGACAAGACGGCGCGACGGAAGAGAACGAAGGGAAGAAAAGTGAC
CGAGAGGCCGCTGAACATCTCGCCCCGGCGCAGCGGGAGCCCGCCGAGGCAGCTTCCCC
>EP16057 (-) Rn somatostatin; range -499 to 100.

TTTAAGGGATGCCAGGAGAGAAGATAGTTCACTCTCTGATTGCATATTAATTCTCAGA
TTGGTTCTAGACGGATAGCTTAAGTCTCCCTTGCCATACAATACCGTTAAGCATGATG

GCAAGTCCAGTAATCTGAGTACATTGACAGGTACCCAAGTGTGTGCTGATGTATTGCT
GGCCAAGGACTGAAGGATCTCAGTAATTAATCATGCACCTATGTGGCGGAAATATGGGAT
ATGCATGTCGACACTGAGTGAAGCAAGATTATTTGGTCTGTGTGGCGTGGAGAATTTCA
TGTGCCTGTGTGGGTGACGGCTTTCTTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAATAAACCACTTTA
GATCGTGTGCCTCCCCTCACTTCTTTGATTGATTTTGCAGGGCTAATGGTGCCTAAAAG
CACTGGTGAGATCTGGGGGCGCTCCTTGGCTGACGTGACAGAGAGAGAGTTTAAAAAGGGG
AGACCGTGGAGAGCTCGATAGCGGTGAAGGAGACGCTACTGGAGTCGTCTCTGCTGCCT
GCGGACCTGCGTCTAGACTGACCCACCGCGCTCAAGCTCGGCTGTCTGAGGCAGGGGAGA
>EP16058 (+) Hs somatostatin I; range -499 to 100.

CCTTCTACTGTCCATATTTCAATTCTCAAATCTGTTATTAGAGGAATGATTCTGATCTCCA
CCTACCATACACATGCCCTGTTGCTTGTGGGCTTCCTAAAATGTTAGAGTATGATGAC
AGATGGAGTTGTCTGGGTACATTTGTGTGCATTTAAGGGTGATAGTGTATTTGCTCTTTA
AGAGCTGAGTGTGTTGAGCCTCTGTTGTGTGTAATTGAGTGTGCATGTGTGGGAGTGAAA
TTGTGGAATGTGTATGCTCATAGCACTGAGTGAATAAAAGATTGTATAAATCGTGGGG
CATGTGGAATTGTGTGTGCCTGTGCGTGTGCAGTATTTTTTTTTTTTAAAGTAAGCCACT
TTAGATCTTGTACCTCCCCTGTCTTCTGTGATTGATTTTGCAGGGCTAATGGTGCGTAA
AAGGGCTGGTGAGATCTGGGGGCGCCTCCTAGCCTGACGTGACAGAGAGAGAGTTTAAAAACA
GAGGGAGACGGTTGAGAGACACCAAGCCGCTTTAGGAGCGAGGTTTCGGAGCCATCGCTGC
TGCCTGCTGATCCGCGCCTAGAGTTTGACCAAGCCACTCTCCAGCTCGGCTTTTCGCGGCGC
>EP29003 (+) Rn calcitonin/CGRP; range -499 to 100.

CCAACACCTTTGGCTATCAGCCTAAACCTGTGCCACCCTGCCAAAGCCAGCCTTGACAGAC
CAAGAGTCCACCCCTACGGTGCATAAAGTCTTCCGATTAGGCACGGACTAGGGTCGGG
GCACGATTAGAATCAGACATGCAGCAAGGAGTACTTGAGATACTGGACTCTACTCTCCAA
GGTCCAGAGATTGGAGTCGGGATGTTCAAAGTCAGGAGGGAAGAAGAGATAAAATTTAC
CTTGACGTCAAAAGGCCCTCAAATTTCCCGCTAATTTTAAAGGGTGGTTCTCACTGCTCCC
CACCATCCTCCCACTTCCATCAATGACCTCAATTTAAATTCAAATGGTGTCTCTTGCTA
GATGCTCGGAGTTCTGGAAGCACCGAGGTGACGCAATCTGTCTGGGGCACGGGGCCCTTC
CACCTATTGGCTGCCTGGCGCCCCGGGACCCCTCCCAACTACCGCGCGGGAATAAGAGC
AGCTGCAGGCGCTTGAAGCANNN
NN
>EP29004 (-) Hs calcitonin/a'CGRP; range -499 to 100.

GTCTCTTGTTTCCACGAGCCCTGGCCCTCTGTGGGTAATACCAGTACTGGAGTCAGAT
TTCTTGGGCCAGAACCCCTTAGGGGCATTAACCTTTAAATCTCACTTGGGCAGGG
GTCTGGGATCAGAGTTGGAAGAGTCCCTACAATCTGGACCCCTTCCGCCAAATCGTGAA
ACCAGGGGTGGAGTGGGGCGAGGGTTCAAACCAGGCCGGACTGAGAGGTGAAATTCACC
ATGACGTCAAATGCCCTCAAATTCGCTCACTTTAAGGGCGTTACTTGTTGGTGCCCC
CACCATCCCCCACCATTTCATCAATGACCTCAATGCAATACAAGTGGGACGGTCCTGC
TGGATCCTCCAGGTTCTGGAAGCATGAGGGTGACGCAACCCAGGGGCAAAGGACCCCTCC
GCCATTGGTTGCTGTGCACTGGCGGAACCTTCCCGACCCACAGCGGCGGGAATAAGAGC
AGTCGCTGGCGCTGGGAGGCATCAGAGACACTGCCAGCCCAAGTGTGCGCGCGCTTCC
ACAGGGCTCTGGCTGGACGCCGCCGCCGCTGCCACCGCCTCTGATCCAAGCCACCTC
>EP47010 (+) Bt galanin; range -499 to 100.

GGGCGGGCTTCGGGCTGCTGTCTTCCCGCATGGATGGCTCTCAGGGCTGAACCCGTAAT
CCTGCCGCTGCAACAGTGTGCGGGCTCGGCGGTGCCAGGACCCCGCGACCGCGCCAGC
TCAGAGTGAGGGTTTCCGGCTGCGGAGTTCCCTGCGCAGGGGGCGCTGTGCTGGCCCGG
GGGTGCGCTAACAGGCGTGGGGTCTCCGCCACGGTTGGGGGCTCTCCATTGCGGGCGAT
GGGGGCTCTCCGGCCAGGTGCGGGGGTCCGTGCTTCTGCCATCCCCGTACGCCCCACTC
GCAAGGCAGGACCACGCGCGCGCCCCCCCCACCCCGCTCCGCGGGCGCTCCGAGGC
CCCCGGGGACTGAGTTCGGTCACTCCCGCCACTCGGGCGGGGAGGACGCGGGAGGCG
GGAGCGGAGCCCGTGACGCGCCGCGAGCGGCTCCGGGATGCGCCGCATAAATAGTGGCGGC
GGCGGCTCCCGCGCTGACACGTGAGGGAGCCCGGCCGCTGCGCTTCCCGCTTCCGC
GTCCCCGAGGCCGCGCATGCGGTGAGCGTCCCGGCCCTGCCACCCGACTCGACGGA
>EP17066 (-) Rn glucagon; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NN
NNNNGATGACAGAGAGTGGGCGAGTGAAATCATTTGAACAAAACCCATTATTTACAGAT
GAGAAATTTATATTGTGACGTAATATCTGCAAGGCTAAACAGCTTGGAGACTATATAAA
AGCCACAGCACCTTGGTGCAGAAGGGCAGAGCTTGGGCGCAGAACACACTCAAAGTTCCC
AAAGGAGCTCCACCTGTCTACACCTCCTCTCAGCTCAGTCCCAAGGTAAGAGGCACAC
>EP17067 (+) Hs glucagon; range -499 to 100.

TTTAATACATATGTGTTGAATGAATGATCATTATTTAGATAAATGAATGACTGAAGTGAT

TGTTATATTCAGGTAATTCATCATGGCTAGGTAGCAAACCAAAGACTTGTAAAGAACCTC
AAATGAGGACATGCACAAAACAGGGATGGCCATGGGCTACGTAATTTCAAGGTCTTTTGT
CTTCAACGTCAAATTCACTTTAGAGAACTTAAGTGATTTTCATGCGTGATTGAAAGTAG
AAGGTGGATTTCCAAGCTGCTCTCTCCATTCCCAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGATACAA
GAGTGCATAAAAAGTTTCCAGGTCTCTAAGGTCTCTACCCAATATAAGCATAGAATGCA
GATGAGCAAAGTGAGTGGGAGAGGGAAGTCATTTGTAACAAAACCTATTATTTACAGAT
GAGAAATTTATATTGTGAGCGTAATATCTGTGAGGCTAAACAGAGCTGGAGAGTATATAA
AAGCAGTGCCTTGGTGCAGAAAGTACAGAGCTTAGGACACAGAGCACATCAAAGTTCC
CAAAGAGGGCTTGTCTCTCTTACCTGCTCTGTTCTACAGCACACTACCAGAAGGTAAG
>EP30060 (+) Rn panc. polypeptide; range -499 to 100.

CCTTCCAAGTGGCTTGGGGATCTGAGACACCTTCTCTGTCCCTTCCTGGATCTAGCTGTA
CACTGGATTGAAGGCCTGACTTCCATCCTCCATGCTAGGGGTAAAACCGACCTTCAGC
TTCAAGCCACACCCTGAGGAAATCCCATTTGTCGACTGGGGTTGTCTCTCGGGAGGGTGTA
TTGAGGCCAGAGACTAGAATCTTTGGGTACCATGTCAGGACCCTGTCAATTATGAATCA
AGGCTGTTCTGGTGTCCAAAGCTTGGTATGGACACCACGGGACACCTTTGTGATGATCTA
TTTGTCTTACTCTGTGCTCTCTGACCTAGAACACTGGTCTGGTGCCTTCTGTTTCTG
GCCGCAGTGCCCGCCGTGTTTCAGATACCCAGGGAGAGAGCAAAAGGGGGTTGAAGGCTG
GCAGTGAGGAAGGTTGACAGAGGCGGGGACACTGGGGGTGCTGAGGACTATAAAGGGGC
ACAGCCAGGAACAGGGAGATCAGTCCAGCAGAAGGTAGGTGTCTGGGTCCAATACCCACT
CGCTCAGGACACAGGGTAAGTGAGCTCTAGTCTGCTCTGGGACTCCTTGGGTTGAGG
>EP11126 (+) Bt CG/LH/FSH/TSH a'; range -499 to 100.

CTTATTAACCTGATGCACATTTAATTTTAGAAGAGTCTAAATATGTGTATGTTTTCTT
TTTCTGTTTTCTACTGGGATAATGTTGTAAGGCTAGAAATGCTCTGTATCTAGAATCTGA
ATTTTACAGCTCTGCTTTTTTAAGTAAACATCAGGTACTTAGCTAATTAATGTAATACT
TGTAAGATCTTGTATATAGGAAAGTGCAACTTTTCAGGATGTTGTGTATAAATCTTGAA
AAAATTATGTAGAAAATAACAGAGTTCTCTGTTTCATAGGCTGACCTTGCAAGTCAACAC
CATCTGAAAATGGCTCAAAACAAAAATAATCTAAGGGCTGAAACAAGATAAGATAAAAT
TGATGTCATGGTAATTATGTGAAGTACCATTCAATCATTGGGTGGAATTTACTGTTGATC
CCTGGACTTAGATGTAGGTGGGAACATGCAGCTTTTATGACTCTGCTGGTATATAAGACA
GGTGAGGACTTTATTAAGCAGTTGCTGAGAAATCACAAGACAAAACATAAATCTTCT
TCAGATCCACAGTCAACTGCCCTGACTACATTCTGCAAAAATCCAGAGGACGGTAAATG
>EP07106 (-) Hs CG/LH/FSH/TSH a'; range -499 to 100.

CTTCTCATGCTCTTTTATTAATTCAGATGCAAAATTAATTTTAGAAAAGTCTAAATAGG
TGTGTGTTTTATTTTTCTGTTTCTTAATTAATAGTGGTATAAGCCTGGAAATGCTCTAT
ATCTATTTTCGAAATCTATAGCTCTTGTTTAGGTAAATATCAGGTACTTAGCTAATTAA
ATGTCTCTTGTATTATAGGAAAGTGTCAGCTTTCAGGATGTTATGTGTATGGCTCAATAAA
ATTACGTACAAAGTGACAGCGTACTCTCTTTTCATGGGCTGACCTTGTCGTCACCATCAC
CTGAAAATGGCTCCAAACAAAAATGACCTAAGGGTTGAAACAAGATAAGATCAAATTGAC
GTCATGGTAAAAATTGACGTCATGGTAATTACACCAAGTACCCTTCAATCATTGGATGGA
ATTTCTGTTGATCCCAGGGCTTAGATGCAGGTGGAACACTCTGCTGGTATAAAAGCAG
GTGAGGACTTCATTAAGTGCAGTTACTGAGAACTCATAAGACGAAGCTAAAATCCCTCTT
CGGATCCACAGTCAACCGCCCTGAACACATCCTGCAAAAAGCCAGAGAAAGGTAATATG
>EP11129 (+) Hs CG b'; range -499 to 100.

GTTCAATGAGAAGCGATCAAGATGCTGCACAGTTCAGCCCTGGGTGGGGAGCTCAAGTCA
GGTTTCTAGCCCTCTTCCCTGTGCCAACCTATACCCTACATTGGGAAAGAAACAGACCTT
AAAATTGTCCAGCTTGATGGCATCGCGGGGAAGGGACTAAGTCCAGATAATGTCCTCTGA
GGCTTCGGCCCCGTGGGCAGGACACACCTCCTGCGGGCTATTCAATAATCAGTTAAATC
ACCTGAAGCACACGCATTTCCGGGGACCGCTCCGGGCATCCTGGCTTGAGGGTAGAGTGG
GCGGAGGTTCTTAAGGGAGAGGTGGGGCTCGGGCTGAATCCCTCGTTGGGGGGCATCTGG
GTCAAGTGGCTTCCCTGGCAGCACAGTCACGGGGAGGCCCTCTCTATTGGGCAGAAGCT
AAGTCCGAAGCCGCGCCCCCTCCTGGGAGGTTGGACTGTGGTGCAGGAAAGCCTCAAGTAG
AGGAGGGTTGAGGCTTCAATCCAGCACTTTGCTCGGGTCACGGCCTCCTCCTGGCTCCCA
GGACCCACCATAGGCAGAGGCAGGCCTTCTACACCCTACTCCTGTGCCTCCAGGCTC
>EP30075 (+) Rn LH b'; range -499 to 100.

AGGTTCTCCAGGCGGAGTTTACTGATCAAGAAGTTTTATAGCTGAAACCACACCCATTT
TTGGACCCAATCCAGGCATCCTGATTAGGGGGCTGGGCGAGGGGCGGCGCCACCTCTG
GTTGTATTTAAAGCAAATTTGGAGGCTCACTTGTGCAAGCAACACCGAAGCTGTGCCC
TCCTATTAGTTGTACTCAACCATCGGAGTGGGTCTGACTGAAGTTTATTCCAGCATCCT
AGGGCCAGCTAGCAGCTGCAGAGTTCTCCCTTTACCTGTTCCCTGTGTTCCCAATGTC
AGTTAAGCTCAGGCACCTGGGCTGAGTGTGAGGCCAATTCAGTACAGCACTGGAGCTGGT
CCCTGGCTTTTCTGACCTTGCTGTCTCGCCCCAAAGAGATTAGTGTCTAGGTTACCCA
AGCCTGTAGCCTCTGCTTAGTGGCCTTGCCACCCCAACCCGCAGGTATAAAGCCAGG
TGCCCAAGGTAGGGAAGGTATCAAGAATGGAGAGGCTCCAGGTAAGATGGTAGGGCCAG
GGTACCTCCCGATTCTAGCAGACCCCATAGATGGACAGCCTTGTGACCTAGGGGTTGGAG
>EP30076 (-) Ss LH b'; range -499 to 100.

CGTGGAGGCACGGCGCATCTGGGCGCGGGTAGACCCCTACCTCCGGGCACAGAATCCAA
TAATGAATACAGGCGCTCTTAAGAGGTTAGACTCAGCCAGGACGGGTGGAGCAGGGTA
GAGGCTTCAGCCAATCACCATTTCAGAGGTTGTGAGAGGGGCGCTGCTCCAGCCTCAGCCT
CCCTCAGGATGAGCAGAGGGGGATCTGCAGAGCAAGGGGCGCAGCTGAGGGCTTTCTATA
CCTTATTTCTTGTGCCCCATCGCGATCTCTTAGCACCAGTCTGTGAAGTACCCTCAA
CTTGCCGCTTCTGCTGCTTGGCGAGGGAGCGCTCAGGTGGGCGGATGGGGTGCATCGC
TGAGCCACTGATGCACCTCCCTGACCTTGCTGCTTCTCAGCCCCCGGGAAGATTAGTG
TCCAGGTTACCCCACTTCCAGTGGCCTTGCCGCCCCACAGCCTGCAGGTATAAGACCAG
GTAAACACGGCTTGAGACACCAAGGATGGAGATGCTCCAGGTAAGACTGTTGGGAACCC
GCGGCACCCGGTGAATCCATGCAGCCCTCAGCTGGCAGGAAGAGGGAAAGTCTGTGACC
>EP11128 (-) Bt LH b'; range -499 to 100.

GCTCACCATGCTGGGGCAGTAGCCGGCGCAGATGCTGGTGGTGAAGTGATACAGACAGG
GCAGGCCTCCTTCTCAGCCGCCAGGGTGGCGTTGATGGGCTGGCACAGCGGCCGAGTGG
CCCCCTGGAAGCCACACCCCGGCCACGCCAGCAGCAGCCACAGCAGAGTCCCTAGGA
CAAGGCCAGTGCCTCAGGGCCAGCCAGAGCCCTACCCACCCCCGAGCCCTGCATGCA
CACGTTTCAGGGACCCAGCTCCTGTGCTGCCACCTTCCATTCAAGGATTGCCCATCCCCA
GGGACCCAGACACCCCAAGCTCAGGCCACCTGCTGCCCTCCTCCACTGGCAGGC
CTACTGTTCTCCCCACACCTTCTAGAAAGAGGCCTCCTTACCAGATCCCCGGACTCTC
CCACTTCTCCAGCTGTTTCTGGATGGAGTCTCAAGGGGCCCTACAGACTTACCTGGA
ACATCTCCATCCTTGGTGCCTCCCCTGCTGTGTTACCTGGTCTTATACCTGCAGGCTGT
GGGGGCGGCAAGGCCGGGGTGGCAGCATGGTGGGTAACCTGGACACTAATCTCCCCGG
>EP11127 (-) Hs LH b'; range -499 to 100.

CATCTGGGTCAAGTGGCTTCCCTGGCAGCAGTCACGGGGAGACCCTCTCTACTGGGC
AGAAGCTAAGTCCGAAGCAGCGCCCTCCTGTTAGGTTGGACTGTGGTGCAGGAAAGCCT
CAAGTGGAGGGTTGAGGCTTCAGTCCAGCACCTTTCTCGGGTCATGGCCTCCTCCTGGCT
CCCAAGACCCCAACAATTGGCAGAGGCAGGCCCTTCTACACCTACTCCCTGTGCCTCCAG
GCTCGACTAGTCCCTAGCACTCGACAACCTGGGTCTCTGAGGTCACTTACCGTGGTCTCT
GCCTCACCTCTGGCGCTAGACCACTGAGGGGAGAGGGCTGGGGCGCTCTGCTGAGCCACT
CCTGCGCCTCCTTGCCATGTGCACCTCTCGCCCCGGGGGGATTAGTGTCCAGGTTACC
CCAGCATCCTATCACCTCCTGGTGGCCTTGCCGCCCCACAACCCGAGGTATATAGCCA
GATACACGAGGCAGGGGATGCACCAAGGATGGAGATGCTCCAGGTAAGACTACAGGGCCC
CTGGGCACCTTCCACCTCCTTCCAGGCCATCACTGGCATGAGAAGGGGAGACCCGTGTG
>EP30072 (-) Rn FSH b'; range -499 to 100.

AAGCATAAGAAAAGGGGGGATTGAGACCAGGAGAGCTGAATGTGGTCATAAGGAAAGACA
CAGCCCATAGGAATAAGGTGCAGAAGTGTTCCTATCTGTTTCATCCACTTGGAGTGTTC
GTCTGTTCTTGGACCAGTCAATTAGACATATTTTGGTGTCTTTCTCAGTGGAGCCAAAG
CAATGCTCAGAAAGGATTCGAGTTCCTCAAGTTAAAGATCAGAAAGAACAGTCTAGACT
CTAGAGGCACATCTAATTTAGCAAGGTGAAGGAGTGGGTGTGCTGCCATATCAGATTCGG
TTTGTACAGAAACCATCATCACTAAGAGCATTTTCTGCTCTGTGGCATTCTAGACTGCTTT
GGCGAGGCTTGATCTCCCTGTCTGTCTAAACAATGATTCCTTTCAACGGGCTTTGTGTT
GGTATTGGTCACGTTAACACCCAGTAAATCCATGGGGTGTAGGATTGTATAAAGATCA
GGTGTGACTTGATTCAAGTGTTCAGCTTTCCCAGGAGAGATAGCCAACGACAGGTGAG
TTTCAGCACTTGGTGCAGCAAGGACAGGTAAGTCTGAAGATTGCAGATCTTTGGGATTTAA
>EP30073 (-) Bt FSH b'; range -499 to 100.

GAATAACATTTGAAATTAGAGGATCTGGATGTAAAGAGGAATACAGTCTATATTTTAGAC
AGGAGTCAGATCATGAAAGACTTTCTATTTGTTTTTCCCTGCTAGTTTTCAAACCTACCT
TCAGAGTAATTTATTAACCATATCTTTTGATACACCTCAACAGAGCCAAGGCAATACTT
GAAAAGAATTCTGAATTCCTCAAGTTAAAGGTACAAAAGAAAAACCCAAAGTCAAATTTA
ATTTGACAAGGTAAAGGATGGGTGTTCTACTATATCAAATTTAATCTGTACAAAATCAT
CTCTGGTAACATTATTTGTCCCGATCTACTGCGTTTAGACTACTTTAGTAAGGCTTGATC
TCCCTGTCTATCCAAACACTGATTCACTTACAGCAAGCTTCAAGCTAACATTGCTCTTAC
TAATACCAACAATAACCAAGGTTTAGTTTAGTTTACACAATTTTGTATAAAGGTGA
ACTGAGACTAGACTCAGCTACAGCTTCCCCAGACAAGGCAGCTGTCTACGGAAGTCT
CAGCATCTACAGTTATCAAGTGGTGAGTTACTTCAATTCGCAGATTTTAAGGATCTAGA
>EP33036 (+) Ss FSH b'; range -499 to 100.

GATTAAGGAATCTGAATATGGGAAGTAAACATAAATATAATTTACACTTTATAAAGAGT
ATAATCATGAAAGACTCTCTATTTGTTTCTCCCTTACAGCTGTGAGTCTAGTCTCAGAG
TAACCTATTAACCATATATATATATATTTTTTGACACACCTCAACAGTGCCAAAGCAATA
CTTGGAAGGATTCTAAATTCCTCAATTAATATACAAAAGAAAAACCCAGAGTCAGAC
TTAATTTGAAAAGGTAAAGGAGTGGGTGTTCTACTATATCAAATTTAATTTGTACAAAAT
CATCTCTGGTAACATTATTTTCTGTTCCACTGTGTTTAGACTACTTTAGTAAGGCTTG
ATCTCCCTGTCTATCTAAACACTGATTCACTTACAGCCAGCTTCAGGCTAACATTGATCT
TACTAATACCAACAATCCACAAGGTGTTAGTTTACATGATTTTGTATAAAGGTGAA
CTGAGACTAGATTACGCCCACAGCTTCCCCAGACAAGGCAGCCGATCACAGGTGAGTCT
TAGCATTTATAGTTACCAAGAGGTGACAGTTAGTTCTGAAATGATTTTTCGGGATCTGAA

>EP30074 (-) Hs FSH b'; range -499 to 100.

GATTAGGGGGCCAGAATGTGGGAGGAAAGAGAGATACAGTTTCACACTTTAGACAGGAGC
CAGATCATGAAATGTTTTCTCTTTGTTTCTTCTTCCTTCACAGCTTTTGATATGCTCTT
GGAGCAATTTATTAACCATATTTTTAATGCATCTCCTGAACAGAGTCAAAGCAATACTT
GGAAAGGACTCTGAATTTCTGATTTAAAGATACAAAAGAAAAATCTGGAGTCACAATTA
ATTTGAGAAGGTAAAGGAGTGGGTGTGCTACTGTATCAAATTTAATTTGTACAAAATCAT
CATCTCTAGTAACATTATTTTTCTAATCTACTGCGTTTAGACTACTTTAGTAAAGCTTG
ATCTCCCTGTCTATCTAAACACTGATTCACCTACAGCAAGCTTCAGGCTAGCATTGGTCA
TATTAATACCCAACAAATCCACAAGGTGTTAGTTGCACATGATTTTGTATAAAAGGTGAA
CTGAGATTTTCATTACAGTCTACAGCTCTTGCCAGGCAAGGCAGCCGACCACAGGTGAGTCT
TGGCATCTACCGTTTTCAAGTGGTGACAGCTACTTTTGAATTTACAGATTTGTGACAGACA

>EP30067 (-) Mm TSH b' P1; range -499 to 100.

CATTTTCACACTAAGTTATGTTAACAATACTCTAAAATTCAGAAAAAACAATAAAAA
TTTTGAACTAAAATGTTTTATTGTGCATACATGGTTCAGTTGGCCTAGATTTCCAGAAAG
AGGTTTCCTTTGCTTTATAGATGAATATGTACGAATCTCTACATGAGCAGGCAGACTGGA
ACACTCAGGCCCCAAATAAATTTGACATCTCAGGACTTTTCCACTTCTTCTTCCAATTT
AATGGCCTATCCTTTATAAATATGAGCAAAATATTAATGTCTGTTATTAAACATTACAGATA
TTAATAAAAGATATGTTTCAAATAGAGAGAGGAAGATGCATGTATAATAATGTCAGAG
TTTCCAGGGAGAGGATATAGTGAACCTGTTTGTCTAAACAAGTTTTATTGGGGTTCAGT
ATGAATTTTCAATAGATGCTTTTCAGATAAGAAAGCAGCAATTCGAATGCAATTATATAA
ACAAGAAGATCAGAGGGGAATTATCCTGAAGGGTATAAAATGAACGGAGAGTGGGTCTC
ACAGCAGTAACCTCACTCATGCAAAGTAAGGTAGGTGTCTACCCTGTGCAGAACCTGTAAG

>EP30069 (+) Rn TSH b' P1; range -499 to 100.

GAGAAACATTTACACTAAGTTACGTTAACACTAAAATTCAGGAAGAAAAACAATAACA
ATATAACAATTTGAACTAAAATGTTTTATTATCGTACATGGTTCAGTTGGCCTAGATT
TCCAGATAAGTTTCCTTCGCTTTATAGATGAATAATTATGTGTATGTATCTCTATATGAA
CAGGCAGAGTCTGAAACCCCTCAAGCCCCATATAAATTTGCCTTCTAAGGACTTTTCCCAC
TGCTTCTGTGGTCTATCCTTCGTAAATATGAGAAGATATTAATGCCTGTTATTAACATTA
ACATTTAAAGGATATATTTCAAATAGGAGAGAGGAAGATGCATGCTATAATAATGTCAGG
GTTTCCAGGGAGAGGATCTAGTGAACCTGTTTGTCTAAACACGTTTTATTGGGGTTCAG
TATGAATTTTCAATAGATGCTTTTCAGATAAGAAAGCAGCAATTCGAATGCAATTATATA
AACAAGAAGATCAGAGGGGAATTATCCCGAAGGGTATAAAATGAACAGAGTCTGGGTCTC
CACAGCATTAACCTCGCCAGTGCAAAGTAAGGTAGGTCTCTACCCGGAGCAGGACCTGTAA

>EP30068 (-) Mm TSH b' P2+; range -499 to 100.

AAAAAACAATAAAAAATTTGAACTAAAATGTTTTATTGTGCATACATGGTTCAGTTGG
CCTAGATTTCCAGAAAGAGGTTTCCTTTGCTTTATAGATGAATATGTACGAATCTCTACA
TGAGCAGGCAGACTGGAACACTCAGGCCCCAAATAAATTTGACATCTCAGGACTTTTCC
ACTTCTTCTTCCAATTTAATGGCCTATCCTTTATAAATATGAGCAAATATTAATGTCTGT
TATTAACATTACAGATATTAATAAAGATATGTTTCAAATAGAAGAGAGGAAGATGCATG
CTATAATAATGTCAGAGTTTCCAGGGAGAGGATATAGTGAACCTGTTTGTCTAAACAAGT
TTTATTTGGGGTTCAGTATGAATTTTCAATAGATGCTTTTCAGATAAGAAAGCAGCAATT
CGAATGCAATTATATAAACAAGAAGATCAGAGGGGAATTATCCTGAAGGGTATAAAATGA
ACGGAGAGTGGGTCTACACAGCAGTAACCTCACTCATGCAAAGTAAGGTAGGTGTCTACCC
TGTGCAGAACCTGTAAGATGAAGTGCCTTTATTACCATTTCACTGTGTTTGAACAATTGT

>EP30070 (-) Rn TSH b' P2+; range -499 to 100.

AAGAAAAACAATAACAATATAACAATTTTGACTAAAATGTTTTATTATCGTACATGGT
TCAGTTGGCCTAGATTTCCAGATAAGTTTCCTTCGCTTTATAGATGAATAATTATGTGTA
TGATCTCTATATGAACAGGCAGAGTCTGAAACCCCTCAAGCCCCATATAAATTTGCCTTC
TAAGGACTTTTCCCACTGCTTCTGTGCTATCCTTCGTTAAATATGAGAAGATATTAATG
CCTGTTATTAACATTAACTTTAAGGATATATTTCAAATAGGAGAGGAAGATGCATG
CTATAATAATGTCAGGGTTTCCAGGGAGAGGATCTAGTGAACCTGTTTGTCTAAACACGT
TTTATTTGGGGTTCAGTATGAATTTTCAATAGATGCTTTTCAGATAAGAAAGCAGCAATT
CGAATGCAATTATATAAACAAGAAGATCAGAGGGGAATTATCCCGAAGGGTATAAAATGA
ACAGAGTCTGGGTCTACACAGCATTAACTCGCCAGTGCAAAGTAAGGTAGGTCTCTACCC
GGAGCAGGACCTGTAAAATGAAGTGCCTTTGCGATCATTTTCATTGTATTTTAACAGCTGT

>EP30071 (+) Hs TSH b'; range -499 to 100.

TAAATTTTACTTAATATCTTAAAATCCCCAAAAATATTTTGAACACACATTTTGTCT
AAACAAAATTTTATAGTAGGAATAATTTTATATATCTTTACATGAACATTTAGGTAAAA
CTTGAAGCCCTCAAGCCCCAAATAAATTTTTATTCCCAAGACTTTTATAGATGATGTTAG
AGTGTTTTTTGAATTTGGTTTTTCCATTCTGTATCTATCTTTTATTAATATTAATAAAT
AAATATTAATAAAGAATATATTTAAAGGTAATTTTATTTTGAACAGAGAGAGGAAAA
TGCATGCTTTAATAATGTCAGTTTCCAGGTAAAGATATTGTGAGCTTTTGTCTAAATA
CATTTTATTTGGAATTCAGTATGAATTTTCAATAGATGCTTTTCAGATAAGAAAGCAGTA
AATCAAATGCAATTGTATAAACAAGAAGATCAGAGGGATTATCCTGAAGGGTATAAAATG
AACCAAGAGCTTTTAGTTTGGGTCAACACAGCATCTGCTACCAATGCAAAGTAAGGTAG

GTGTCTATAGTGAGAAGGCTCTGTGAAATGATATGTTCTTAAGCTATTTTTTTTCACTTT
>EP07103 (-) Bt prolactin; range -499 to 100.

TGAGAGTATAACAGGAAGTAAAATCTTACTTACTCATCCTTATTCTATATTTCTTAGTA
TTTAGTGTGTAATTTTGAATCTTGACTTCAGCCAGCAATTTGAATGAGAATAAAATA
CTCTTTGATAATACATGAGACACCTAAGTAAAAGATAATGCTATATTCAAGAACTGCAG
AGAAATAAAGGCAAATGTTACAAGAAATGACTGCTATAATTTTATAGTTCTCTAACTCA
AACTAGTCTCCAGATCTCACCATCATTATCTCTCATTTCCTTTTCAGTCTAATTAATCA
AAATCCTTCTAGATGTTCTTTCTGGTCAGTATGTCTTCTGAATATGAATAAGAAATA
GAATACCATTCAATGTTTGAATTTATGGGGTAATCTCAATGACGGAAATAGATGACTGG
CAAAAGGGAAGGGAATGCCTGATTAAATATATTGATGAAGATGTCAAAGCCTTATAAAGC
CAACATCTGGGGAAGAGAAAGCCATAGGACGAGAGCTTCTTGGTGAAGTGTGTTTCTTGA
AATCATCACCACCATGGACAGCAAAGGTTCTGTCGAGAAAGGTATGTACAGCAGCTTGTG
>EP11124 (-) Rn prolactin; range -499 to 100.

AAGAGATTGAGAATGTGAGGACTCTTACATTTTTAAGTTGAAGTCAACATACCTTGGTAT
TTAGTGGAACATTTTGAAGCTTTTAAATTTACCAATAATCTTGAATGAAAAATTTAAAA
CTAGCAACGTTTGAGAAGCAATTTCAAAGTTAAAAGCAATGGTACACATTGCAGATTCT
GTGAAGAAATGAGGGTAAATTTTTAAAGGAATTATCTTCTATACGTTTTATAGATTCTCT
ATCTCAAACGAGACTCAAGATGTGTCAGTCAGCCTCAGCATTCTCTCATTTCCTTTTGTCTG
TAATTAATCAAATCCTTCTTCTTGGCCACTATGTCTTCTGAATATGAATAAGAAATA
AAATACCATTGATGTTTAAATTTATTGGAGCTATCTTAATGACGGAAATAGATGATTGG
GAGGGGAAGAGGATGCCTGATTATATATATATTGATGAAGGTGTGGAAGGTTTATAAAGT
CAATGTCTGCAGATGAGAAAGCAGTGGTTCTTCTAGGACTTCTTGGGGAAGTGTGGTCCC
AGTGGTCATCACCATGAACAGCCAGGTGTCAGCCCGAAAGGTATGTGCTGCAGCTCATT
>EP14056 (+) Hs prolactin; range -499 to 100.

TGACAGTGTAACAGGGGACTGAAAATCCTGATTTCTCAATCCTTATTCTATATCTCTTGG
TATTTAGTGTAATAATTTTAAATCTTTACCTAGCAATCTTGAGGAAGAACTTGATAAC
TGATAATACATGAGATTGTTACCTAAGTGAATATAATCCTATATATTCAACAACTTTA
GAGAAATAAGATAAATTTTAAAGTAAATGACTTCTGTAGTTTTATAGATCCTCCAAACCA
ATCTAGTCTCAGATCTCACCTTCATCATTTCTCTCATTTCCTTTTGGCCTAATTAATCAA
AATCCTTCTAGAAATGTTCTTTCTGGCCAGTATGTCTTCTGAATATGAATAAGAAATA
AAATACCATTGATGTTTGAATTTATGGGGTAATCTCAATGACGGAAATAGATGACCAG
GAAAAGGGAAACGAATGCCTGATTCTTATATTGATGAAGATATCAAAGGTTTATAAAGC
CAATATCTGGGAAAGAGAAAACCGTGAGACTTCCAGATCTTCTCTGGTGAAGTGTGTTTC
CTGCAACGATCACGAACATGAACATCAAAGGATCGCCATGGAAGGTATGTGTGACAACT
>EP07104 (+) Rn growth hormone; range -499 to 100.

CCAGGACCCACAAGATGGAACGATGGAACCAAACCCCAAAGTTGCCTTCTGGTCCCTAC
ATGTACACACTTGAGGACACGCACGAATGCACGCACACACTCACAAATTAGAGGAATAAG
ACAATCATGGGGAAAATACCTCCTTGGAGAGGCTCTGTTGCCCCCTGTCAGTGAACAA
ACGATGGTACCCTGCCAGATATCTACCCCTGGATTCAAAAATACTCTCAAAGGACAC
ATTGGGTGGTCTCTGTAGCTGAGATCTTGCCTAACCATTGCCCATAACTGGCAAAGGC
GGCGGTGGAAGGTAAGATCAGGGACGTGACCGCAGGAGAGCAGTGGGGACGCGATGTGT
GGGAGGAGCTTCTAAATTATCCATCAGCACAAAGCTGTGAGTGGCTCCAGCCATGAATAAA
TGTATAGGGAAAAAGGCAGGAGCCTTGGGGTGCAGGAAAACAGGTAGGGTATAAAAAGGG
CATGCAAGGGACCAAGTCCAGCACCTCGAGCCAGATTCCAACTACTCAGGTCTCTGTG
GACAGATCACTGAGTGGCGATGGCTGCAGGTAAGCATGCGCAGATCCCGCTGGGTGTGGT
>EP11125 (-) Hs growth hormone; range -499 to 100.

GAAAGTGAATTCAGGACTGAATCGTGCTCACAACCCCAACATCTATTGGCTGTGCTTGG
CCCCTTTTCCCAACACACATTTCTGTCTGGTGGGTGGAGGTAAACATGCGGGGAGGAG
GAAAGGGATAGGATAGAAATGGGATGTGGTCGGTAGGGGGTCTCAAGGACTGGCTATCC
TGACATCCTTCGCCGCTGCAAGTTGGCCACCATGGCCTGCGGCCAGAGGGCACCCACGT
GACCCCTAAAGAGAGGACAAGTTGGGTGGTATCTCTGGCTGACACTCTGTGCACAACCTT
CACAACACTGGTGACGGTGGGAAGGGAAGATGACAAGCCAGGGGGCATGATCCAGCAT
GTGTGGGAGGAGCTTCTAAATTATCCATTAGCACAGCCCGTCAGTGGCCCCATGCATAA
ATGTACACAGAAACAGGTGGGGTCAACAGTGGGAGAGAAGGGGCCAGGGTATAAAAAGGG
CCCACAAGAGACCAGCTCAAGGATCCCAAGGCCCACTCCCGAACCCTCAGGGTCTCTG
TGGACAGCTCACCTAGCTGCAATGGCTACAGGTAAGCGCCCTAAAATCCCTTTGGGCAC
>EP16059 (+) Mm proliferin 42; range -499 to 100.

TCAAGCAACTACAATGTTCTTGGGTGTTGTCAAAGACTCATGAGGATAAACTCAATA
TGGGTGACTTTTACTGAGGCTTTAAGTCCCAACGGTCTAAAGACGATGAAATATATATGA
CCTTCATCCACGTGTGATTGAAAATTTTAGAATATATAAAATCCTGAAGGTAAAAGGTC
TATGGCATAGCTATTTATTTAAAGCAAGTAATTTCTATCAGTCTTTATGAGGAAGACATA
GTTGTGGCTACTCACAGTATGATTTGTTTTAGTCAGAGCATGAACATGAGATGAATCACA
TACATAGAAGTACTATATCAGCAAACCTAAAAAATAAGATAAACCATGAACTTAGAACT
ATATTAGTGTGCATGGTATCTAGGCTACTTAACCTGAGGGAAAAAATAATGGAAATTAAC
ACGTCTTTTCTTCTGCCAGTGTGTAACCTCAGGGTACTGGGATAGACTATATAAGAG

GTAGAAAATAAGGACATAGAAGGCTTCCAACCTCCAGTGAAGCATCTTCCCGGAATCCACA
GCTAAGCCTGGGTAGGACTCTGCAGAGATGCTCCCTTCTTTGATTCAACCATGCTCCTNN
>EP16060 (-) Mm proliferin 149; range -499 to 100.

ATCAAGCAACTCACAATGTTCTTGGGTGTGTCAAAGACTCATGAGGATAAACTCAAT
ATGGGTGACTTTTACTGAGGCTTTAAGTCCCAACGGTCTAAAGACGATGAAATATATATG
ACCTTCATCTACGTGTCATTGAAAATTTTGAATATATAAAATCCTGAAGGTAAAAAGGT
CTATGGCATAGCTATTTACTTAAAGCAAGTAATTTCTATCAGTCTTTATGAGGAAGACAT
AGTTGTGGCTACTCACAGTATGATTTGTTTTAGTCAGAGCATGAACATGAGATGAACCAC
GTACATAGAAGTACTATAACAGTGAACCTAAAAATAAGATAAACCATGAACCTTAGAAC
TATATTAGTGTTTCATGGTATCTAGGCTACTTAACCCTGAGGGAAAATAACAGGAATTAAC
ACGTCCTTTTCTTCTGCCAGTGTGTAACCTCAGGGTACTGGGAAAGACTATATAAGAG
GTAGAAAATAAGGACATAGAAGGCTTCCAACCTCCAGTGAAGAATCTTTCTGGAATCCACA
GCTAAGCCTGGGTAGGACTCTGCAGAGATGCTCCCTTCTTTGATTCAACCATGCTCCTGT
>EP07108 (+) Rn PTH; range -499 to 100.

GGCTTATAATAAGGCTGTGACAAATAGCAATATACATCAGGCCTTAATTTTAAATACTAG
AATAGCTTTATCATAAATATTTGGAATCAAACTTTGTAAAGTAGCAAGGCCAGTGGCA
AATGTCTTTAAACCCAGCAGTCTAGAAATAGAGGCAAGTGGATCTTGAGTTTTGGGTGAG
CCTGATCTACATATTGAGTTCTAGGCCAGCCAGAGTTACATAGTGAGACGCTATCTCAA
ACTGTTTTAAATATAAAATCAGTATCATGGATTACGTCAGATTTTTCTAAGTGGTACTT
AGCATTTGCTGCAACTTCTTTTGAGATTCTTTGCCAGCACCTTGCTTTTTTCATCCAT
TATCTAAGTATCTGAACTTTAGAGGAGTGGGCACCGCCGATGAGGGTAGGTGGCTGTT
CTGATCCTATGATTGAGAACCAGAGAACCCAGGCATGACATCATCTTCCCAATAAAATAC
TCCTCTTGGTGAGCAAAAGGCCTGCATATGAACTCAGGCTTGAAGAACTGCAGTCCAGT
TCATCAGCTGTCTGGCTTACTCCAGCTTAATACAGGGTCACTCCTGAAGGATCCTCTCTG
>EP30045 (-) Bt PTH P1+; range -499 to 100.

CGGCTCTTCGAATCAGGCAGCAAAAGTACTGGAGATTACGCATCAGCATCAGTCCTTCCA
ATGAATATTCAAGGCTGATTTCTTTTAGAATTACTAAAGGAATATATTATATATATTATA
TATTTATAAATATATAATACATATATATAATATATATATTTATAAATATTTTATATT
TTATATAAAATATACATTTTGTAAATATATAATATATATTTATAAACATATAATATATAT
AATATATTCCTTTTGGAAATAGAGTCATTAATCCAGTCAGAATTACAATTCACATTTT
GTTAGAAATCTTTGCATAAACACTTTTCCAGCCCACGCTGTTTTGCTTTTAATATCCAAT
TATCTAAAATTTAAGAAGAATGAGCACC GCCCATGGGAGTGTGTGCTGCTCTATGAT
CCTATGGTTAAAATTCAGAGAATTTGGGAGTGACGTCATCTGTAACAATAAAAAAGCTTCT
CAGTGTGGAAGACTTATATATATAAAAGTCACATTGAAGGGTCTACAGCTCAATTTATCA
GCCTTCTCAGGTTTACTCAACTTTGAGAAAGCATCAGCTGCTAATACATTTGAAAGAAGA
>EP30043 (-) Hs PTH P1+; range -499 to 100.

TTCTCAAATTATTCTTAACACTTCTTTAAGAAAAGGGCTATATCTGTTTTTTGAAAGAT
GACCAGAAGTGACATGGATTGGTTGAAAATGGCTTGAAAGTAAGCCTAACATTTATGAT
TTATTACCATAAAAACTGTACCAACAGTACGGTTATAACAAATACACTTATTTTTGGGTT
TTATTTTCAAGTAAGATAATGACTTTATCATAAACCTTTGAAATCAGTCTTTTACAGTA
TAAATTCAGATTCATTAATCCACATAGAATTTTTCTCGATGGTATAATTCTGTATTTGTT
AAAAGTCTTTGCATAAGCCCCTTGTCAAGCCAAATGCTGTTTTCTTTTAGTATCCAATT
ATCTGAACTTAAGAAGAGTGTGCACCGCCCAATGGGTGTGTGTATGTGCTGCTTTGAAC
CTATAGTTGAGATCCAGAGAATTGGGAGTGACATCATCTGTAACAATAAAAGAGCCTCTC
TTGGTAAGCAGAAGACCTATATATAAAAGTCACCATTTAAGGGGTCTGCAGTCCAATTCA
TCAGTTGTCTTTAGTTTACTCAGCATCAGTACTAACATACCTGAACGAAGATCTTGTTT
>EP30046 (+) Bt PTH P2; range -499 to 100.

ACTGGAGATTCAGCATCAGCATCAGTCCTTCCAATGAATATTCAAGGCTGATTTCTTTTA
GAATTAATAAGGAATATATTATATATATTATATATTTATAAATATATAATACATATATA
TATAATATATATATTTTATAAATATTTTATATTTTATATAAAATATACATTTTGAAATA
TATAATATATATTTATAAACATATAATATATATAATATATTCTTTTTGGAATATAGAGT
CATTAATCCAGTCAGAATTACAATTCACATTTTGTAGAAATCTTGCATAAACACTTTT
CCAGCCCACGCTGTTTTGCTTTTAATATCCAATTATCTAAAATTTAAGAAGAATGAGCAC
CGCCCCATGGGAGTGTGTGCTGCTCTATGATCCTATGGTTAAAATTCAGAGAATTGGG
AGTGACGTCATCTGTAACAATAAAAAAGCTTCTCAGTGTGGAAGACTTATATATATAAAA
GTCACATTGAAGGGTCTACAGCTCAATTTATCAGCCTTCTCAGGTTTACTCAACTTTGAG
AAAGCATCAGCTGCTAATACATTTGAAAGAAGATTGTATCCTAAGACGTGTGGTGAGTAA
>EP30044 (-) Hs PTH P2; range -499 to 100.

GAAAAGGGCTATATCTGTTTTTTGAAAGATGACCAGAAGTGACATGGATTGGTTGAAAA
GGCTTGTAAGTAAGCCTAACATTTATGATTTATTACCATAAAAACTGTACCAACAGTAC
GGTTATAACAAATACACTTATTTTTGGGTTTTATTTCAAGTAAGATAATGACTTTATCA
TAAACCTTTGAAATCAGTCTTTTACAGTATAAATTCAGATTCAATTAATCCACATAGAAT
TTTTCTCGATGGTATAATTCTGTATTTGTTAAAAGTCTTGCATAAGCCCCTTGTCAAGC
CAAATGCTGTTTTCTTTTAGTATCCAATTATCTGAACTTAAGAAGAGTGTGCACCGCC
CAATGGGTGTGTATGTGCTGCTTTGAACCTATAGTTGAGATCCAGAGAATTGGGAGTG

[illegible]

GTTTGGAAATTACAGCTTCAGCCCTCTCGCCATCTGCCTACCTACCCCTCCTAGAGCCC
TTAATGGGCCAAACGGCAAAGTCCAGGGGGCAGAGAGGAGGTGCTTTGGACTATAAAGCT
AGTGGAGACCCAGTAACCTCCCAACCCTAAGTGACCAGCTACAATCATAGACCATCAGCAA
GCAGGTATGTACTCTCCTGGGTGAGCCCGTTCCCCAGCCAAACTCTAGGGACTTTAG
>EP17070 (-) Rn insulin II; range -499 to 100.

GCTATGGGTTTGTGGAAGGAGAGATAGAAGAGAAGGGACCTTTCTTCTTGAATTCTGCTT
TCCTTCTACCTCTGAGGGTGAGCTGGGGTCTCAGCTGAGGTGAGGACACAGCTATCAGTG
GGAAGTGTGAAACAACAGTTCAAGGGACAAAGTTACTAGGTCCCCCAACAACTGCAGCCT
CCTGGGGAATGATGTGGAAAAATGCTCAGCCAAGGACAAAGAAGGCCTCACCTCTCTGA
GACAAATGTCCCTGCTGTGAACTGGTTCATCAGGCCACCCAGGAGCCCTATTAAGACTC
TAATTACCCTAAGGCTAAGTAGAGGTGTTGTTGTCCAATGAGCACTTTCTGCAGACCTAG
CACCAGGCAAGTGTTTGGAACTGCAGCTTCAGCCCTCTGGCCATCTGCTGATCCACCC
TTAATGGGACAAACAGCAAAGTCCAGGGGTGAGGGGGGGGTGCTTTGGACTATAAAGCT
AGTGGGGATTTCAGTAACCCCCAGCCCTAAGTGACCAGCTACAGTCGGAAACCATCAGCAA
GCAGGTATGTACTCTCAGGGTGGGCCTGGCTTCCCCAGTCAAGACTCCAGGGATTTGAG
>EP25046 (-) Atr insulin; range -499 to 100.

GGCTGCTGTCTGGGGTGGGCTGGGAATGGGCAGCCATCAGGCAGGGGCCCCCTCACTCC
CCTACCCCGACAACTCGGCCACCCATGGGGGCATCTCGGGCAACCAGAGATAGAGGGC
AGGGGTCTGGGGACAGCAGCGTGAAGAGCCCCGCTGCAGCCTCCCGCACTCTGGTCT
AATGTGGAAGTGGCCAGATGAGGGCTTGTCTCCTGGAGACATTTGCCCCAGCTGT
GAGCAGGGACAGGACTGGCCACAGCGCTGGTTAAGACTCTAATGACCACCCCTCCCGG
CCCTGAGGAAGAGGTGCTGACGACCAAGGAGATATTCCTGCAGACCCAGCAGCCGGGAAA
TGATCTGGAAAGTGCAGCCTCAGCCCCAGCCATCTGCCAGCCCTGCACCTCAGGCCCT
AATGGGCCAGGCGGCAAGGTTGGCAGGTAGGGGAGATGGGCTCTGGGCTATAAAGCCAG
CAGGGACCCAGCAGCCCTCAGCCCCGGGACAGCTGCATCACAGGAGGCCAGCGAGCAGG
TCTGTTCCAAGGGCCTTCGAGCCAGTCTGGGCCCCAGGGCTGCCCACTCGGGGTTCCAG
>EP07109 (+) Hs insulin; range -499 to 100.

GTGTGGGGACAGGGGTGTGGGGACAGGGGTCTGGGGACAGGGGTGTGGGGACAGGGGTCC
TGGGGACAGGGGTGTGGGGATAGGGGTGTGGGGACAGGGGTGTGGGGACAGGGGTGTGGG
GACAGGGGTCTGGGGACAGCAGCGCAAAGAGCCCCGCTTCAGCCTCCAGCTCTCTGG
TCTAATGTGGAAGTGGCCAGGTGAGGGCTTGTCTCCTGGAGACATTTGCCCCAGC
TGTGAGCAGGGACAGGTCTGGCCACCGGGCCCTGGTTAAGACTCTAATGACCCGCTGGT
CCTGAGGAAGAGGTGCTGACGACCAAGGAGATCTTCCACAGACCCAGCAGCAGGGAAAT
GGTCCGGAATTTGACGCTCAGCCCCCAGCCATCTGCCGACCCCCCAGCCAGGCCCTA
ATGGGCCAGGCGGCAGGGGTTGAGAGGTAGGGGAGATGGGCTCTGAGACTATAAAGCCAG
CGGGGGCCCAGCAGCCCTCAGCCCTCAGGACAGGCTGCATCAGAAGAGGCCATCAAGCA
GGTCTGTTCCAAGGGCCTTTGCGTCAGGTGGGCTCAGGATTCCAGGGTGGCTGGACCCCA
>EP17071 (+) Hs IGF II E1P1; range -499 to 100.

GGTGACAAGGTGTTGTGGCTCCAGGTCTTGGGGTCTGACACAGAGCCTCTTCTGCA
GCACCCCTGAGGACAGGGTGGCTCCGCTGGGCACCCAGCCTAGTGGGCAGACGAGAACCT
AGGGGCTGCCTGGGCTACTGTGGCTGGGAGGTGAGCGGGTGACCCTAGCTACCCTGTG
GCTGGGCCAGTCTGCCTGCCACCCAGGCCAAACCAATCTGCACCTTCTCTGAGAGCTCCA
CCCAGGGCTGGGCTGGGGATGGCTGGGCCTGGGGCTGGCATGGGCTGTGGCTGCAGACCA
CTGCCAGCTTGGGCCTCGAGGCCAGGAGCTCACCTCCAGCTGGGGACCTGGCCACTGGG
GCAGCCCTGTTCTGAAGCTCTGAGCTCACCCCTTCCCCATGACCACATCAGCCCCCTC
CACCCAGAGATGTCACAGCCCCCAGCTAGCCCCGCTCCAGAGTGGGGGCCAAGGCTGGG
CAGGCGGGTGGACGGCCGGACACTGGCCCCGGAAGAGGAGGGAGGCGGTGGCTGGGATCG
GCAGCAGCCGTCCATGGGAACACCCAGCCGGCCCCACTCGCACGGGTAGAGACAGGGGCG
>EP28008 (+) Rn IGF II E1P1; range -499 to 100.

CCACTCCACCCCCAAAGAATTGACCTTAATTCCCTAAACCCATCTGTTGTTTTTTTCT
ATCTCCCATTTTTAGGCAATTAATAATTAGCTCCCCCCCCAAATTTTATGTTGGGAATTT
TCTTAAACTCAACAGCAACAGCAAACACCTAACTTCTATAAATTAGCCTAAGATTTTGT
GGGTTCCCCAACTTGTGACTAAGACCTTAGGTTCCCCACGTTAGGCTTGGATCAAGAT
GTTCCCTTTTTTGCATAGAATAATTTTCTCATTTCCTCAACTTGGATTCTAATTTTTCT
GGAATCTCAAATTTAGTCGTTTGCCACAGTTTTCCATTTATGGAGTCTCATTCAAGTCC
TCCTACTTTGGGCCACTCATTCCAGGGCCGCAAATCAGACAAGGGTCTGATTTGGGATC
CCCGAAATTTGATCATTGTTTCCGCTGGCCACTTTCCGCACTTCCCGTCTGCGCATAA
CATCGATATCGGCCTCTTCACTTCTCTACGGTGTCCAGCGGCAGCTCAGATTTTGGAA
AAGTGTGTGTGCCCCAAACACGCACCGGACACTGCGCGGCGGCCAGGACGTGGGCAGTGC
>EP28010 (+) Hs IGF II E2P2; range -499 to 100.

ACCTTTCCCTGAAGCCACAGTAATTATGAAGGTATTTTTTCCCCGGCTGCTGCCAGCGT
CCAGGCCACTAATTATATTCTTAAGATGTGAAAATTAATCTCAGCTTCCCCCTAACACA
CCAAGAATGTGTTTGGATCCCCAAAATGTTCCTTGCTTTTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT
ATATGGCTCTACGGCAAAATTCCTAATTTTATATGGAGAATTTTCTTTAACTACCCCTCC
TCACAAATTTGGTCCCCCAAGCTAGCTGGCCCTATTTGAGACCTCTTCTCTATGTTCCC

AATTGCATGGAGCAACTTCTCTCATCCCCAAACCTGTAATCTATTTTTCTGGAGTCTCG
AGTTTAGTCATTAATCACGGTTCACATTAACGGAGTCCCCGGGGTCCCTCCTCCAGG
ACACCCATTGCGTAAGCCCGCAAGGCAGAAAGAACTCTGCCTTGCGTTCCCCAAAATTTG
GGCATTGTTCCCGGCTCGCCGGCCACCCACTGCAGCTTCCCCAACCCCGCGCACAGCGGG
CACTGGTTTCGGGCCTCTCTGTCTCTACGAAGTCCCCAGAGCAACTCGGATTTGGGAAA
>EP25032 (+) Rn IGF II E2P2; range -499 to 100.

GTTGGCAGGTAGGTCTTGTAGGACCCTCGATCCAGCTACCTGCCCGCGCCTTAACCTG
CCTGCTGGGATGCGCCTACCTTGTAACTCTCTAACTGGGCACAGGTCCCCTCACTACCAC
TGAGGCCTGGGGTGCCACGCACGTTGGTTCGCACCACGCGCCCATGTTGCACAAGCACAG
GGCACCCCGAAACATGACATGTGGCCTCGATTTTTTTTTGGGATGGACACCCAGGATTTA
GTGGGCCTGCTGGGGCGCACAGCCCCCTCCCATCTTTGCTACCAGGCACCCATTCCCCC
TCCCCCAACGGCAACCCCCGTGCCAGGGCCCCGACCCGCAATCCCCCGTGGCTCGAG
TTGCGGGGGCGGTCCCGGGGCGGGGCAAGGGCCCTGCGGACGCCATTGGCGCGGGCGTA
AGGCCAGCGGGGCCGAGCGGGCGCCGAGCCGCGGGGTGGCGCGGCTATAAGAACGGGGC
GTTGGCGCCCGAGTTCGCTGCTCTCCGGCGGAGCTGCGTGAGGCCAGGCCGGCCCCCG
GCCCCCCTTCCGGCGCCCCCGCCTCTGGCCCACGCCCGCCCGCGCTCGGCCCGCCAG
>EP1702 (-) Hs IGF II E3P3; range -499 to 100.

GCCAGGGGGCCCCCTCAGCCGCAACAACAGCAAGGACCCCCGACTCAGCCCCAAGCCA
CCTGCATCTGCACTCAGACGGGGCGCACCCGCACTGCAGCCTCTGGTGGGGCGCTGGGA
GCCCGCTGCCCTGCTGCCGGAGACCCAGCTCACGAGCACAGGCCGCCCGGGCACC
CCAGAAACCCGGGATGGGGCCCTGAATTCTCTAGAACGGGCATTTCAGCATGGCCTTGGC
GCTCTGCGGCTCCCTGCCCCCACCAGCCTCGCCCCGCGACCCCCCAGCCCTGCGA
CCGCCGCCCCCCCCGGGGCCCCAGGGCCCCAGCCCGCACCCCCCGCCCCGCTCTTGG
CTCGGGTTGCGGGGGCGGGCCGGGGGCGGGGCGAGGGCTCCGCGGGCGCCATTGGCGCG
GGCGCGAGGCCAGCGAGGCCCGCGCGGGCCCTGGGCCGCGGGCTGGCGCGACTATAAGAG
CCGGGCGTGGGCGCCCGCAGTTTCGCTGCTCTCCGGCGGAGCTGCGTGAGGCCCGGCCGG
CCCCGGCCCCCCTTCCGGCGCCCCCGCCTCTGGCCACGCCTGCCCGCGCTCTGCC
>EP25033 (+) Rn IGF II E3P3+; range -499 to 100.

ACTGGGTGGGCGGGGCCAGAAAGCACCCCAAATTTGGCAGAAGTCAGGCAGACCCACAG
TTAACTGTTTCTCCCCACCACACACCCCCCAACTCTGTCCCAACATTCCCAGCCAGGA
ATGTTGGGGGGGGCGGTTTCGGGCTCAAAAGGGCAGAAATGTTACAGTTTGTAGAGTAA
CTGCCCCCTGCCCTTTACTGGGTGGAATTTCCATAGGATGATGTGGGAAGGACCCCCCTC
CCGCCCCCTATGGTCTGTGCAGAAAGGGCTGGGGGTGCACGATGAGGCCCCCCCTCCACT
GGTGGTGCTTTGCTAAGGAATGGTCCAAGGCTAGCTCTTGGGGGTGCAGGAGAAAAGGGA
CTGGCTGGAAGGAGGGAGGGGGCGGGTGCAGAAAGGGGGCGAGGGGAGTGGTCAGCAAGGAG
GGGGGGTGGGGGTAGGGTGGAGCCGGGACTGGGAGGAGCCGACTCAGACATAAAAAGCGG
AGGCACTGACCAAGTTTCGAAACTGGACATTTGCTTCTCTGTGAGAACCTTCAGCCTTT
TCCTGTCTTCATCTCTTCCAGCCCCAGCGGCCTCCTTATCCAATTCAGGTAACCCAGGG
>EP28009 (-) Hs IGF II E4P4; range -499 to 100.

GGTGGGCGGGGCCAGGATGGAGAGGGGGCGAGTTGGCAGGAGTCATGGCAGACGCCACAT
TCGCGACATCTCCCCACACCCCTCTGGCTCTGTCCGCAACATTTCCAAACAGGAGTCC
CGGAGAGAGGGGAGAGGGGCTGCTGGTCTGAGGCTAAGAAAGGGCAGAGCCTTCGACCCGG
AGAGAGGCCGCGGGCCCTGCCAGTGGGCAGCGTGGAAGTTTCATACAAGGAGGTGGGA
AGGAGACCCCCCCCCCTTCACTGCCCTGTGCAGAGATGAGCCGGGGGTGCAGGATGGGA
GCCCATGGCACTTCGCTACGGGATGGTCCAGGGCTCCCGGTTGGGGGTGCAGGAGAGAAG
AGACTGGCTGGGAGGAGGGAGAGGGCGGGAGCAAAGGCGCGGGGGAGTGGTCAGCAGGGA
GAGGGGTGGGGGTAGGGTGGAGCCCGGGCTGGGAGGAGTCGGCTCACACATAAAAGCTG
AGGCACTGACCAAGCCTGCAAACTGGACATTAGCTTCTCCTGTGAAAGAGACTTCAGCTT
CCTCCTCCTCCTTCTCCTCCTCCTCCTGCCCCAGCGAGCCTTCTGCTGAGCTGTAGG
>EP25015 (+) Hs gastrin; range -499 to 100.

ACACGTTATGTTTGACAGAGTCCAAGTGGAGGGGACGGGGAATCAATACATCACCCACATT
CACACGCTTGCCAAACATCAGTGGATGGCGAAATCCACTTTCCTGAATCTAAGCCCATC
GGGTTCACTCCCTCACCTACCACCACCCACAAAGGTCCCTATGTAGTTCGAGAGATAAGT
GCCAGGCCTCTGACCCCCAGGATATGGTGGGAAGCATTGCTCCTGACCCAGGGAGCTTGG
TTCCTGCCCCCTCAGGTACAGCTGGAGAGCTGCCGCCACCCCGCTCCAGCCCCCTACCATG
AAGGTCAACTCCCTATCCTTCCCCACATCCTGGATGACTGACTGACACTAAATGAAAG
GGCGGGGCGAGGGTGTGGGCTGTACCTGTGCCCCACCCATTCTCTCGCCTGGACTCAT
ATGGCAGGGTAGGGGCGGGGTGGGGGGACAGTTGGGAGGGACCTTGAGGGCTTTATAAGG
CAGGCCTGGAGCATCAAGCAGAGCAGAGACCTGAGAGGCCACCCAGGCCAGCCGTGGCACC
ACACACCTCCAGCTCTGCAGGTGAGAAAACCCAGGAGGAGAGGGGAGAGGCTAGGAAGT
>EP36005 (-) Rn angiotensin; range -499 to 100.

AAGGGACTGGAAGCCCCCTGTGCAGAACAGACAATAACGTAATTACAACCATTCAAGGTC
GTCCATCCTGAGAGCCGCTGATGACTTATGAGAGGTTTCATCTCCTGCAGGTAGGTCCCTT
CCTGGCATGTCTGAGAGGCTTATAAGCAGATCACGAGGGGCTTACGTCCCAAGGTCTGC
ATGGTGGCTTCAGTTGTACAACCCAGCCAGTCCTGTGACTGTGATCCAGCTCCGGGGA

ACTGGGGTAAATATGTAACCTCAACGCCAGCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
GCCTGAAGCTCATCTGCCACTAGGGCTTCTGGAAGGGACCCAGCGGAACATCGCCCTGG
CCTTGCTCCATCTTGCTAAGCCTGGATTCCCATGGTCCCCGACCTGGGTCTCCCCCA
GCCTCTGTACAGAGTAGCCTGGGAATAGATCCATCTTACCCCCCTCGAGTATAAATAAGG
CTGCTTGTTTACCAGGGGATAGCTGTGCTTGTCTGGGCTGGAGCTAAAGGTAAGCAGAG
CCCTCTTGGGTCTTTCTGGTCTTCGTGGGATCTGACTGGGCAGGAGCTGAGCTTCAGG
>EP72001 (+) Hs AGT P1; range -499 to 100.

GCATAAACACAGAACAGCACATCTTTCAATGCCTGCATCCTGAAGGCATTTTGTGTGT
CTTTCAATCTGGCTGTGCTATTGTTGGTGTAAACAGTCTCCCCAGCTACACTGGAACT
TCCAGAAGGCATTTTCACTTGCTTGTGTGTTCCTCCAGTGTCTATTAGAGGCCTTTGC
ACAGGGTAGGCTCTTTGGAGCAGCTGAAGGTCACACATCCCATGAGCGGGCAGCAGGGTC
AGAAGTGGCCCCCGTGTGCTAAGCAAGACTCTCCCTGCCCTCTGCCCTCTGCACCTC
CGGCTGCATGTCCCTGTGGCCTCTTGGGGGTACATCTCCCGGGGCTGGGTGAGAAGGCC
TGGGTGGTTGGCCTCAGGCTGTACACACCTAGGGAGATGCTCCGTTTCTGGGAACCTT
GGCCCCGACTCCTGCAAACTTCGGTAAATGTGTAACCTCGACCCTGCACCGGCTCACTCTG
TTCAGCAGTGAAGCTCTGCATCGATCACTAAGACTTCTGGAAGAGGTCCAGCGTGAGT
GTCGCTTCTGGCATCTGTCTTCTGGCCAGCCTGTGGTCTGGCCAAGTGATGTAACCCTC
>EP72002 (+) Hs AGT P2; range -499 to 100.

TTTAACAGTCTCCCCAGCTACACTGGAACCTTCCAGAAGGCATTTTCACTTGCTTGTGT
GTTTTCCCGAGTGTCTATTAGAGGCCTTTGCACAGGGTAGGCTCTTTGGAGCAGCTGAAG
GTCACACATCCCATGAGCGGGCAGCAGGGTCAGAAGTGGCCCCCGTGTGCTAAGCAAG
ACTCTCCCTGCCCTCTGCCCTCTGCACCTCCGGCTGCATGTCCCTGTGGCCTCTTGGG
GGTACATCTCCCGGGGCTGGGTGAGAAGGCCTGGGTGGTGGCCTCAGGCTGTACACAC
CTAGGGAGATGCTCCCGTTTCTGGGAACCTTGGCCCCGACTCCTGCAAACTTCGGTAAAT
GTGTAACCTCGACCCTGCACCGGCTCACTCTGTTTCAAGCAGTGAAGCTCTGCATCGATCACT
AAGACTTCTGGAAGAGGTCCAGCGTGAGTGTGCTTCTGGCATCTGTCTTCTGGCCA
GCCTGTGGTCTGGCCAAGTGATGTAACCCTCCTCTCCAGCCTGTGCACAGGCAGCCTGGG
AACAGCTCCATCCCCACCCCTCAGCTATAAATAGGGCATCGTGACCCGGCCGGGGGAAGA
>EP36006 (+) Hs AGT P3; range -499 to 100.

TAGGCTCTTTGGAGCAGCTGAAGGTCACACATCCCATGAGCGGGCAGCAGGGTCAGAAGT
GGCCCCCGTGTGCTAAGCAAGACTCTCCCTGCCCTCTGCCCTCTGCACCTCCGGCCT
GCATGTCCCTGTGGCCTCTTGGGGGTACATCTCCCGGGGCTGGGTGAGAAGGCCTGGGTG
GTTGGCCTCAGGCTGTACACACCTAGGGAGATGCTCCCGTTTCTGGGAACCTTGGCCCC
GACTCCTGCAAACTTCGGTAAATGTGTAACCTCGACCCTGCACCGGCTCACTCTGTTCAAG
AGTGAAACTCTGCATCGATCACTAAGACTTCTGGAAGAGGTCCAGCGTGAGTGTGCT
TCTGGCATCTGTCTTCTGGCCAGCCTGTGGTCTGGCCAAGTGATGTAACCCTCCTCTCC
AGCCTGTGCACAGGCAGCTGGGAACAGCTCCATCCCCACCCCTCAGCTATAAATAGGGC
ATCGTGACCCGGCCGGGGGAAGAAGCTGCCGTTGTTCTGGGTACTACAGCAGAAGGTAAG
CCGGGGGGCCCCCTCAGCTCCTTCTCGGTCTTGTCTCTCAGATGTAAGTGAAGTGTGGG
>EP11132 (+) Hs pronatriodilatin; range -499 to 100.

GGTGTGAGGCCAGCTTGAGCATCTGGATCCATTTGTCTCGGGCTGCTGGCTGCCTGCCAT
TTCTCTCTCTCCACCTTATTGAGAGGCCCTGACAGCTGAGCCACAAACAAACCAGGGGA
GCTGGGCACCAAGCGTCACCTCTGTTTCCCGCACGGGTACCAGCGTCGAGGAGA
AAGAATCCTGAGGCACGGCGGTGAGATAACCAAGGACTCTTTTTTACTCTTCTCACACCT
TTGAAGTGGGAGCCTCTTGAGTCAAATCAGTAAGAATGCGGCTCTTGACAGCTGAGGGTCT
GGGGGGCTGTTGGGGCTGCCCAAGGCAGAGAGGGGCTGTGACAAGCCCTGCGGGATGATA
ACTTTAAAGGGCATCTCTGCTGGCTTCTCACTTGGCAGCTTTATCACTGCAAGTGACA
GAATGGGGAGGGTCTGTCTCTCCTGCTGCTTGGAGAGCTGGGGGGCTATAAAAGAGG
CGGCACTGGGAGCTGGGAGACAGGACAGACGTAGGCCAAGAGAGGGGAACAGAGAGG
AACAGAGGGGAGAGAGACAGCAAGCAGTGGAATTGCTCCTTGACGACGCCAGCATGA
>EP11133 (-) Mm pronatriodilatin; range -499 to 100.

CTAGCTCCAGCATGTGTACTCCCTGGCCAGCCTAGCTGGCCTCCAGCTGCCTGTCATTG
CCTCTCTCCCGCCCTTATTGAGAGCCCTGACAGCTGAGCAGCAAGCAGGGGGAGCTGG
GTGCAGGCCAGCCGTACCCCTCTGCTTCCCTGCATGGGTCTGTTGCCAGGGAGAAAGAA
TCCTGAGGCGAGCGCCAGGAAGATAACCAAGGACTCTTTTCTGCTCCTCTCACACCTTT
GAAGTGGGGGCTCTTGAGGCAAATCAGCAAGAATGTGACTCTTGACAGCTGAGGGTCTGG
GGGAGGGGGGTGAGTGGAGCTGCTCAAGGCAAAGGGGCCGTGACAAGCTTTGCCGAAGT
ATAACTTTAAAGGGCATCTTCTGCTGGCTCCTCACTCCATCGCTTTATCGCTGCAAGTG
ACAGAATGGGGAGGGTCTAGCCCCCTGCCTTCTCAAAGAGCTGGGGGGCTATAAAAC
GGGAGATGCTGGCAGCTAGGAGACAGTGACGGACAAAGCTGAGAGAGAGAGAGAAAGAA
ACCAGAGTGGGCAGAGACAGCAACATCAGATCGTGCCCGACCCACGCCAGCATGGGCT
>EP17073 (-) Mm IFN-a'1; range -499 to 100.

GTTACTTTTAAATGAAGGTAACCTCAAAAAACCAATTTTAGGACTTTAAATATTGGGAACCTT
TTAAAGTATCCCTTTGCTTCAATGTATATTAATTGAGAGAAACATGCAACCATACCTTGT
ATTATGATTTAAATACTCTGTAAAGCAATATAAATAAAATAATAATTAATAAAATCAA

TTTGGTTAATGTTTGTAGACTATTTTACAGAAAACCTTTGATTTATACTAAATATGTAAAT
TTCAAGTAAGGACAGTTTTATCAGTACTGTAAACAGTTAATGAAAATTCAAATTAGGAAAAAG
AAATGTAAGAAAAGCTTTTGTAGAGGACCAAGTGAAGAGGGAAGCAATAATGAAAACCAACA
TGGTTTGAAGAACACCCAGACGCAAGCAGAGAATGAGTTAAAGAAAGTGAAGAGACAAGT
GGAAAGTGATGGAAGGGCATTGAGAAAGTAAAAACAGTGTTCCTTATTTAAGACACA
TTCACCCAGGATGGTCTTCAGAGAACCTAGAGGGGAAGGATCAGGACCAACAGTCCAGA
AGACCAGAAGCTTTGGCAACACTCACCATGGCTAGGCTCTGTGCTTTCCTGATGGTCCTG
>EP17074 (-) Mm IFN-a'2; range -499 to 100.

GGCCTTGAACCTCAGACACCCATCTGCCTCTTCTGAGATTAACTGTGCAGCACCATGTCC
AGGCCACAACAATACTTCTACCTTAGAAACATTTTGCATCATACTTTACTTTTTGATACA
AATATTTATGTAATGGTATAAATAAAATGAAAAATAATTGTAGAATGAATTACAGTAAC
TTAAATACAATCATAGAGGAAATTTTATGTTTGCATAGATGTGTAATTTCTCACAGAGA
CTGTATATCTGTGGAGTAGTAGTTAATGACAATTTAAGTCTAATTTAAAGTGAAACCTG
TAGAGTAGCTTTCTGAGGGCAGCAGTGAAGAGAGAAAGCAATGATGGAACCCACATGCGTG
AGGGGGGAAAAAGCCCAGACACAAGCAGAGAGTGAAGTAAAGAAAGTGAAGAGAAATTA
GGAAGCAAGGGGAGGGTATTTGGAAGGAGAACTTGTGTTTGTCCCTATTTAAGATAGA
TGCACACAGCAGGCTTCTCAGAGAACCTAGAGGAGAAGACTCAAACACACAGTCCAGAGA
GCCATCAACCTCTGCAAGACCCACAATGGCTAGACTCTGTGCTTTCCTCGTGATGCTGAT
>EP17075 (-) Mm IFN-a'4; range -499 to 100.

GCCCAAGGTAGACTGGTGTGACCCAGCAAAGCTTGCCGGGCAGGTTTCTGCATCCCTGG
ACCCTGCTGGTTCCAGTTACCCCCACACTTTACTTTTTTGACAGAAATATTTATGTAAAT
AGTATAAATAAAACAAAAGGTTGTAAATAAATTACAAAACCTTTAAATACAGTCATAG
GGGGAAATTTTGTGTTTGCAGTAGATGTGCAGTTTTCACACAGAGACTGTATATCTGTGG
AGTAGTGGTTAATGACAATTTAAGTGTAAATTTAAAGAGAAACCTGGAGAGTAGCTTCT
GAGGGCAGCAGTGAAACTGAAACAATGATTGAACCCACATTCCCCAGGGGGGCGGGGGA
GGGGAGGACAAAATCCAGACACAAGCAGAGAGTGAAGTAAAGAAAGTGAAGAGAAATTA
GGAAGCAAGGGGAGGGTATTTCCGAAAGGAGAACTTGTATTTGTCCCTATTTAAGAGAG
ATGTACACAGCAGGCTCTCAGAGAACCTGTAGGAGAAGACTCAAACCCACAGCCAGAGA
GTGACCAGCATCTACAAGACCCACAATGGCTAGGCTCTGTGCTTTCCTCATGATCCTGGT
>EP17076 (-) Mm IFN-a'5; range -499 to 100.

GCCTCCCGAGTGCTGGGATTAAAGTGGTGCACCACCCTGCCAGTGGACTTTAAATATT
TTAAAGTATACCTTTACTTCAATGTATATTAATTGAGAGACACTTGCAACAATACCTTGC
ATTATTATTACATATTTGTAAACAATAAAACAAAATTGTCAATTCAATATA
GTTAACGTTTACAGAATATATTACAGGAAATTTTGATTTACAATAAATATGTAAATTACA
AACAAAGACAGTTTATTGGTGTGGAACAGTTAATGAAAATTCAAATTAGGAAGAAAAAC
CCTCAAACACAGCTTTGGGTATGGAGCAGTGAAGAGGAAGCAATAATGGAAATCTCAAT
GGGTTAGAAAAATGCCAAACACAAGTGGAGAATGAGTTAAAGAAAGTGAAGAGACAAGT
GGAAAGTGATGGAAGGGCATTGAGAAAGTAAAACTAGTGTTCCTTATTTAAGACACA
TCCACCCAGGATGGTCTTCAGAGAACCTAGAGGGGAAGGATCAGAACCAACAGCCAGAGA
AGACCAGCAGCATTGGCAACATTACCATGGCTAGGCTCTGTGCTTTCCTGATGGTCCTG
>EP17077 (-) Mm IFN-a'6; range -499 to 100.

GGCCTCCCGAGTGCTGGGATTAAAGTGGTGCACCACCCTGCCAGTGGACTTTAAATAT
TTTAAAGTATACCTTTACTTCAATGTTTATTAATTGAGAGACACTTGAAACAATACCTTG
CATTATTATTTACATACTTTGTAAACAATACAAATAAAACAAAAATTGTCAATTCAATAT
AGTTAATGTTTACAAAATACATTACAGGGAATTTTGATTTACAATAAATATGTAAATTAT
AAACAAAGACAGTTTATTGGAGCTGAAATAGTTAATGAAAGTTCAAATTAGGAAGAAAA
CCCTCAAACCAACTTTGGGTGTGGAGCAGTAAAGAGGAAGCAATAATGAAAATCTCAAT
GGGTTAGAAAAATGCCAAACACAAGTGGAGAATGAGTTAAAGAAAGTGAAGAGACAAGT
GGAAAGTGATGGAAGGGCATTGAGAAAGTAAAACTAGTGTTCCTTATTTAAGACACA
TTCACCCAGGATGGTCTTCAGAGAACCTAGAGGGGAAGGATCAAGATCAAACAGCCAGAGA
AGACCAGAAGCATTGGCAACACTCACCATGGCTAGGCTCTGTGCTTTCCTGATGGTTTTG
>EP24036 (-) Mm IFN-a'7; range -499 to 100.

NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNAGGATTAGTTATATGTAATTCTCTACTGGAATCTACATGA
GTGCTGGGAAACCAATGAGATACTCATGTGTGTGCTGTAAGAATACTGATGACTGAGCCA
TTCAACAGCCATTAAGAACATATTTGGGTGAAATTCCTTTCTTCTTATATTAGATTA
GATTTTACATACATGATACACACACATATAGTGAAATTTAATGAAAATTCAGTCCGTG
GCTTTGTTGAGAAGAGCAGAGAAAGTTGACACAATAATGAAAACGAAAATGATTGATAAA
AAAAATGCCAGACACAAAACGAAAATGAGTTAAAGAAAGCATAAAAAGAATTGGAATGA
GAGGGGAAGACATTTCAAAAAAATAAGAACTAGTGTTCCTTCTCTATTTAAGACACA
TTCACCAGGGATGGTCTTCAGAGAACCTAGAGGGGAAGGATCAGGACCAACAGCCAGAGA
AGACCAGCAGCATTGGCAACATTACCATGGCTAGGCTCTGTGCTTTCCTGATGGTTCTG
>EP14058 (-) Hs IFN-a'13; range -499 to 100.

AACATTAGATAATGTTTATAATTTGTTAAATTTCTTATGTAATTTAATACATTACAATTT
ATATCAGTAAATAAACTATATTGAAGCCCAAGCAAATTTAGTTATAAAGTTAAGTTAA

ATTTGAATAGCGTTTAAATTTAACTTTTATCTTAAAATTTTCATTTGGTTATTTTTAAAC
TTGCATTGAATAAAATGATTAACCTTTGTACTTTTTGAGTATAGAGATATACATATAGTA
CACAAATAGATAGATATTATCTGTGTTATTAAATTTTACGGTGGGTTCAATTAGGAA
AAAAAATCTAAAAAGTCTCTGGGAACAAGATGGGGGAGACAATAATGAAAAACAAATGG
TTGAGAAACACGGCTCTAACTCATGTAAAGAGTTCAAGAAGGAAAGCAAAAACAGAAAT
GGAAAGTGGTCCAGAAGCATTAAAGAAAGTGGAAATCAGTATGTTCCCTATTTAAGGCATC
TGCAGGAAGCAAAGCCTTCAGAGAACCTAGAGCCCAAGGTTTCAAGTACCCATCTCAGC
AAGCCCAAGCATCTGCAATATCTATGATGGCCTCGCCCTTTGCTTTACTGATGGCCCT
>EP14059 (-) Hs IFN- α '6; range -499 to 100.

ATATTACTAATACATTCTTAATTTGCAAATTTGTTTGAGATAATTTATATAAACAAATAG
AGTGAATTAAGTTGCTGCTCAGAGTTAAGTTAAATGTCAAATTTTTAAAAATTTAACT
TTTAGTTAAATTACTTTGCCATTCTAACAGATCAAGAAATAATAAAAGTAACTTTATG
CTTTTTCTTTTAGTGTGCAAAGTAGACATACATACAGTACATAAGGAGATATACAATATA
TTTGTTATTAATAATTAATAAAAAATTTAATTTCAATTAAGAAAAAAATTTCTTAAAGAC
TCTGGAGGCAGGCAAGAGAAGGGAGTGTCAATAATGACCACATACACACACAAACACACA
CACAAAATCTGGTTGAAAACTACTCTATACCCATGTAGAGAGTAAATAAATGAAAGCAAA
ATCAGACGTAGAAAAGTAAATCTGAAATGGAACTAGTATGTTCCCTATTTAAGACCTA
CACATAAAGCAAAGGTCTTCAGAGAACTAGAGCTGAAGGTTTCAAGATCACCCATCTCAAC
AAGTCCAACAGCATCTGCAACATCTACAATGGCTTTGCCTTTTGTCTTACTGATGGCCCT
>EP14060 (-) Hs IFN- α '5; range -499 to 100.

ATCTGACACACTACAATTTATATAAGTAAATAAATCACATTGTTACTTAAACAAATTGAA
CTATGAAGTTAAATATCCATAAATTGTAAATTTAATTATTAACCTTTTACCTTAGAATTTT
CATTTGCTCATTCTTAATCCGGGACTGAATAAATTCTATTTTACATTCTATTACGCTGCT
TTTAAAGCATTAAAGAAGTACAATATTCTCTCTCGATAATGGGTACTGTAATGTATATAC
ATCAGCCAACACATAGTATATCTGTGTTATTTAAATTTAATGGGATTTTTAGTTAGAAAA
AAAATTTCTAAAAAGCATATGTGGCAGAGGAAGATGAGGTAATAATGTAAAAATAAATAA
ACTGAGAAACACTCCTGTACATCTATGTAGAAAAGAGCATAAAAGAAAGCAAAAAGAGAAG
TAGAAAAGTAACACAAGGCATTGAGAAAATGGAACTCGTATGTGACCTTTTTAAGATCTG
TGCACAAAACAAGGTCTTCAGAGAAGAGCCCAAGGTTTCAAGGTCACCTCAATCTCAACAGC
CCAGAAGCATCTGCAACCTCCCCAATGGCCTTGCCCTTTGTTTTACTGATGGCCCTGGTG
>EP11135 (-) Hs IFN 1'2h ($-\alpha$ '14); range -499 to 100.

CTAGGATTACAGGCACCTGCCACCATGCCGACTAATTTTTGTATTTTTAGCAGAGACGG
GGTTTCACCATGTTGGCAAGTCTGGTCTTGAAGTCTGACCTCGTGATCCATCTGCCTTG
GTCTCCCAAAGTGCTGGAATTTACAAGTGTGAGCCACCGGCCAGCCCATTTGGTCATTCT
TTAACTATGTTAAATAAAAAAGATTAACTTTACACTCCTTATAAATAGATATGTACAG
TATATCAACAAATATATGGTATGTCTGTGTTATTTAAATTTAATGGGACTTTGAATTAGA
AAGAAATTTCTAAAAAGCCCATGGGGCAGGGAAAGATGAGGTAATACTGAAAAATAAAGT
GGTTGAGAACTGCTCTACACCCATGTAGACAGGACATAAAGGAAAGCCAAAAGAGAAGT
AGAAAAAAACATGAAGACGTTTCAAAAAATGGAAGCTAGTATGTTCTTATTTAAGACCTA
TGCACAGAGCAAGGTCTTCAGAAAACCTACAACCCAAGGTTTCAAGTGTACCCCTCATCAA
CCAGCCCAGCAGCATCTTCGGGATTCCCAATGGCATTGCCCTTTGCTTTAATGATGGCCC
>EP14061 (-) Hs IFN- α '16; range -499 to 100.

ATGTAATTACATTTCATATTAACGTGTATTTATATAGCTTTTATATTGCATATGTAATTTG
ATAAAATATAATTTACATTAATGAATTACACTAAAAGTTATTCCAGAAATATACTTATCA
AATTAAGTTATATGTCAACAGCTTTTAACTTAGATTTTAGTTTAACTTTTCTGTCATTCT
TTAACTTTACATTGAATAAAAAAGAGCAAACTTTATAGTTTTTATCTGTGAAGTAGAGGTA
TACGTAGTATACATAAATAGATATGCCAAATCTGTGTTATTTAAATTTTATGAAGATTCC
AATTAGTAAAAAATACCATAAAAGTCTTTGAGTGCAGGGGAAAAATAGGCAATGATGAAC
AAAATGAAAAACATATGTAACACATGTAGAGAGTGCATAAAGAAAGCAAAAACAGAGAT
AGAAAGTAAAAACAGGGCATTTTAGAAAATGGAATTAGTATGTTCACTATTTAAGAACTA
TGCACAGAGCAAGTCTTCAGAAAACCTAGAGGCCAAGGTTCAAGTTTACCCATCTCCAG
TAGCCTAGCAATATTTGCAACATCCCAATGGCCCTGTCTTTTCTTTACTGATGGCCGTG
>EP14062 (-) Hs IFN- α '4b; range -499 to 100.

GGATATGTAATTATATTTCATATTATTAATGTGTATCTATATAGATTTTTATTTTGCATAT
GTACTTTGATACAAAATTTACATGAACAAATTACACTAAAAGTTATTCCACAAATATACT
TATCAAATTAAGTTAAATGTCAATAGCTTTTAACTTAAATTTTAGTTTAACTTTTCTGT
CATTCTTTACTTTGAATAAAAAAGAGCAAACTTTGTAGTTTTTATCTGTGAAGTAGAGGTA
TACGTAATATACATAAATAGATATGCCAAATCTGTGTTATTTAAATTTTATGAAGATTTC
AATTAGAAAAAATACCATAAAAGCCTTTGAGTGCAGGTGAAAAATAGGCAATGATGAAA
AAAAATGAAAAACTTTTTAAACACATGTAGAGAGTGCATAAAGAAAGCAAAAACAGAGAT
AGAAAGTACAAC TAGGGAATTTAGAAAAATGGAATTAGTATGTTCACTATTTAAGACCTA
TGCACAGAGCAAGTCTTCAGAAAACCTAGAGGCCGAAGTTCAAGGTTATCCATCTCAAG
TAGCCTAGCAATATTTGCAACATCCCAATGGCCCTGTCTTTTCTTTACTGATGGCCGTG
>EP11134 (-) Hs IFN 1'2c1 ($-\alpha$ '17); range -499 to 100.

GGTATGTAATTATATTTCATATTATTAATGTGTATTTATATAGATTTTTATTTTGCATAGG

TACTTTGATACAAAATTTACATGAACAAATTACACTAAAAGTTATTTTACAAATATACTT
ATCAAGTTAAGTTAAATGTCAATAGCTTTTAACTTAGATTTTATAGTTTAACTTTTCTGTC
ATTCTTTACGTTAAATAAAAAAAGCAAACCTTTATAGTTTTTATCTGTGAAGTAGAGGTAT
ACATAGTATACATAAAATACATATGCCAAATCTGTGTTATTTAACTTCATGAAGATTTTCG
ATTACAAAAAATACCATAAAAGACTTTGAGTGCAGGGGAAAAATAGGCAATGATGAAAA
ACAATGAAAAACATTCTTAAACACATGTAGAGAGTGCAAAAAGAAAGCAAAAACAGACAT
AGAAAGTAAACTAGGGCATTAGAAAAATGGAAATTAGTATGTTCACTATTTAAGGCCTA
TGCACAGAGCAAAGTCTTCAGAAAACCTAGAGGCCAAAGTTCAAGGTTACCCATCTCAAG
TAGCCTAGCAACATTTGCAACATCCCAATGGCCCTGTCTTTTCTTTACTGATGGCCGTG
>EP07111 (+) Hs LeIF-J (IFN- α '7); range -499 to 100.

GTAGGTAACATTCATATTATTAATGTGTATTATATAGATTTTTATTTTGCATATGTA
CTTTGATACAAAATTTGCATGAACAAATTATACTAAAAGTTATTCACAAATATACTTAT
CAAATTAATAAATGTCAATAGCTTTTAACTTAGATTTTATAGTTTAACTTTTCTGTCAT
TCTTAACCTTTACTTTGAATAAAAAAGAGCAAACCTTTGTAGTTTTTATCTGTGAAGTAGAGG
TATACGTAATATACATAAATAGATATGCCAAATCTGTGTTACTAAAATTTTCATGAAGATT
TCAATTAATAAAAAAACCTATAAAAGGCTTTGAGTGCAGGTGAAAAATAGGCAATGATGAAA
AAAAACGAAAAACTTTTAAACACATGGAGAGAGTACATAAAGAAAGCAAAAACAGAGAT
AGAAAGTAAACTAGGGCATTAGGCAATTTAGAAAATGGAAATTAGTATGTTCACTATTTAAGACCTA
TGCACAGAGCAAAGTCTTCAGAAAACCTAGAGGCCGAAGTTCAAGGTTATCCATCTCAAG
TAGCCTAGCAATATTTGCAACATCCCAATGGCCCTGTCTTTTCTTTACTTATGGCCGTG
>EP07112 (-) Hs b'-interferon; range -499 to 100.

TAAATCATCCCTAGATTACTTATAATACCTGATACAATATAAATGCTAAATAGCTGTAAC
ACTGTATCTTTAAATTTACATTATTTTTTGTGTTGTATTATTATTTTTATTGATTTT
TAAAAAATATTTTCCATCTACAGTCAGTAGAATCCACGGATACAGAACCTATGGATAGGA
AGGACCAACTGTATCTTTTAGTGTTTTGAGGTTCTTGAATTCTCAGGTCGTTTGCTTTCC
TTTGCTTTCTCCAAGTCTTGTTTTACAATTTGCTTTAGTCATTCACTGAAACTTTAAAA
AACATTAGAAAACTCACAGTTTGTAATCTTTTTCCCTATTATATATATCATAAGATAG
GAGCTTAAATAAAGAGTTTTAGAACTACTAAAATGTAATGACATAGGAAAACTGAAAG
GGAGAAGTGAAAGTGGGAAATTCCTCTGAATAGAGAGAGGACCATCTCATATAAATAGGC
CATACCCATGGGAAAGGACATTCTAATGCAACCTTTTGAAGCCTTTGCTCTGGCACAA
CAGGTAGTAGGCGACACTGTTCTGTTGTCAACATGACCAACAAGTGTCTCCTCCAAATT
>EP23039 (+) Mm b'-interferon; range -499 to 100.

TCTCCAGGATGTGGGTTCTCTCCCAAGGGAGCTATGGCCCATTTGATGTGCCATTTCTC
TTATAGTACACTATTGTAGGCCCTGGGAGCTCACAGAGACCCTCTCCACCATCCAC
TATTTCAAAGGGCAGCAGCTGTGCCATCCTTTCAGGATGAGCAGCTACTCTGCCTGGCTT
TTCAGTGACACTTTGGCTGTTTGAGAGTTCTTTTATCTTCAGGGCTGTCTCCTTTCTGT
TCTTCTCTCCTGGATATTTCTCTCTTTGCTCCAGCAATTGGTGAACTGTACAAGATT
TTATAATCCTTAGTTTGATATATTTTAAACCCAGTACATAGCATATAAATAGCCAGGA
GCTTGAATAAAATGAATATTAGAAGCTGTTAGAATAAGAGAAAATGACAGAGGAAAACCTG
AAAGGGAGAAGTGAAGTGGGAAATTCCTCTGAGGCAGAAAGGACCATCCCTTATAAATA
GCACAGGCCATGAAGGAAGATCATTCTCACTGCAGCCTTTGACAGCCTTTGCCTCATCTT
GCAGGTAGCAGCCGACACCAGCTGGCTTCCATCATGAACAACAGGTGGATCCTCCACGC
>EP07113 (+) Hs g'-interferon; range -499 to 100.

AACTCTGATGAAGGACTTCCTCACCAAATGTTCTTTTAAACCGATTCTTTCCTTGCTTT
CTGGTCATTTGCAAGAAAAATTTTAAAGGCTGCCCTTTGTAAAGGTTTGAGAGGCCCT
AGAATTTCTGTTTTTCACTTGTTCCCAACCACAAGCAAATGATCAATGTGCTTTGTGAATG
AAGAGTCAACATTTTACCAGGGCGAAGTGGGGAGGTACAAAAAATTTCCAGTCCTTGAA
TGGTGTGAAGTAAAGTGCCTTCAAAGAATCCCACCAGAATGGCACAGGTGGGCATAATG
GGTCTGTCTCATCGTCAAAGGACCCAAGGAGTCTAAAGGAACTCTAACTACAACACCCA
AATGCCACAAAAACCTTAGTTATTAATACAACTATCATCCCTGCTATCTGTCAACCATCT
CATCTTAAAAAACTTGTGAAAATACGTAATCCTCAGGAGACTTCAATTAGGTATAAATAC
CAGCAGCCAGAGGAGGTGCAGCACATTGTTCTGATCATCTGAAGATCAGCTATTAGAAGA
GAAAGATCAGTTAAGTCTTTGGACCTGATCAGCTTGATACAAGAAGTACTGATTTCAAC
>EP14063 (+) Hs IL-1 α '; range -499 to 100.

AACTTCCCTCTTCAGAAAAGATGGCTCATTTTCCCTCAAAAGTTGCCAGGAGCTGCCAAG
TATTCTGCCAATTCACCCTGGAGCACAAATCAACAAATTCAGCCAGAACACAACCTACAGCT
ACTATTAGAAGTATTATTATTAATAAATTCCTCTCCAAATCTAGCCCCCTTGACTTCGGAT
TTCACGATTTCTCCCTTCCCTCTAGAACTTGATAAGTTTCCCGCGCTTCCCTTTTTCTA
AGACTACATGTTTGTATCTTATAAAGCAAAGGGGTGAATAAATGAACCAATCAATAAC
TTCTGGAATATCTGCAACAACAATAATATCAGCTATGCCATCTTTCATTTTAGCCA
GTATCGAGTTGAATGAACATAGAAAAATACAAAACCTGAATTCCTCCCTGTAAATCCCCG
TTTTGACGACGCACTTGTAGCCACGTAGCCACGCCTACTTAAGACAATTACAAAAGGCGA
AGAAGACTGACTCAGGCTTAAGCTGCCAGCCAGAGAGGGAGTCAATTCATTGGCGTTTGA
GTCAGCAAAGGTATTGCTCTCACATCTCTGGCTATTAAAGTATTTTCTGTTGTTGTTTT
>EP17078 (-) Mm IL-1 β '; range -499 to 100.

AGTGCCTGTCTCTCCAGAAGCCCTGCTAACACAGTTGATGGAGAGCACAGAAGCACCAT
CCAGTTACCAAACCTCCAACCTGCAAGCTCCCTCAGCTTAAGCACAAAGGAGGCAGAGAGG
TGACACACTTCTGGGTGTGCATCTACGTGCCTACCTTTGTTCCGCACATCCTGACTTAAA
ATGTACAGCTAACCCAGGAAAAACCAATATTTTAAATATTGACACCATCTGCACAATTGT
CCAGGGGGAAATAATGCCCATTTCCACCACGATGACACACTTGCGAATGTGTCACTATCT
GCCACCCCTTGACTTCCAGGGATTAGAAATTATTTTCAGGGTAGCAATAGCCTCTTCCCT
AAGAATTCCCATCAAGCTTCTCCCCCTCCCCACCCTTCAGTTTTGTTGTGAAATCAGT
TAACCCAAGGGAAAAATTTACAGCTCTTCACTTCTGCTTTTATAGGACTATAAAACAAGGG
AGGGAAAAACAAGTTGGACAACAAACCTGCAGTGGTTCGAGGCCTAATAGGCTCATCTGG
GATCCTCTCCAGCCAAGCTTCTTGTGCAAGTAAGTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT
>EP17079 (+) Hs IL1B; range -499 to 100.

CAGCACCCAAGGTAGAGACCCACACCCTCAATACAGACAGGGAGGGCTATTGGCCCTTCA
TTGTACCCATTTATCCATCTGTAAGTGGGAAGATTCTAAACTTAAGTACAAAGAAGTGA
ATGAAGAAAAGTATGTGCATGTATAAATCTGTGTGCTTCCACTTTGTCCACATATACT
AAATTTAAACATTCTTCTAACGTGGGAAAAATCCAGTATTTTAAATGTGGACATCAACTGCA
CAACGATTGTGAGGAAAAACATGCATATTTGCATGGTGATACATTTGCAAAATGTGTCAT
AGTTTGCTACTCCTTGCCCTTCCATGAACAGAGAAATTATCTCAGTTTTATTAGTCCCTC
CCCTAAGAAGCTTCCACCAATACTCTTTTCCCTTTCTTTAACTTGATTGTGAAATCAG
GTATTCAACAGAGAAATTTCTCAGCCTCCTACTTCTGCTTTTGAAAGCCATAAAACAGC
GAGGGAGAAACTGGCAGATACCAACCTCTTCGAGGCACAAGGCACAACAGGCTGCTCTG
GGATTCTCTTCAGCCAATCTTCATTGCTCAAGTATGACTTTAATCTTCTTACAACCTAGG
>EP07114 (+) Hs IL-2 (TCGF); range -499 to 100.

TGTATGCAATTAGCTCATTGTGTGGATAAAAAGGTAAACCATCTGAAACAGGAAACCA
ATACACTTCTGTTTTATCAACAAATCTAAACATTTATTCTTTTCATCTGTTTACTCTTG
CTCTTGTCACCACAATATGCTATTCACATGTTTCAGTGTAGTTTTATGACAAAGAAAATT
TTCTGAGTTACTTTTGATCCCCACCCCTTAAAGAAAGGAGGAAAAACTGTTTCATACA
GAAGGCGTTAATTGCATGAATTAGAGCTATCACCTAAGTGTGGGCTAATGTAACAAAGAG
GGATTTACCTACATCCATTAGTCACTCTTTGGGGGTTTAAAGAAATTCAAAGAGTCA
TCAGAAGAGGAAAAATGAAGGTAATGTTTTTTCAGACAGGTAAAGTCTTTGAAAATATGT
GTAATATGTAACAAATTTTGACACCCCATATAATTTTTCCAGAATTAACAGTATAAATT
GCATCTCTTGTCAAGAGTTCCCTATCACTCTCTTTAATCACTACTCACAGTAACCTCAA
CTCCTGCCACAATGTACAGGATGCAACTCCTGTCTTGCAATTGCACTAAGTCTTGCACTTG
>EP11136 (-) Mm IL-2 (TCGF); range -499 to 100.

ACCCTGTGTGCAATTAGCTCATTGTGTAGATAAGAAGGTAAACCATCTTGAAACAGGAA
ACCAATATCCTTCTGTCTAATCAACAAATCTAAAGATTTATTCTTTTCATCTATCTCC
TCTTGCGTTTGTCCACCACAACAGGCTGCTTACAGGTTTCAGGATGGTTTTGACAAAGAGA
ACATTTTCATGAGTTACTTTTGTGTCTCCACCCCAAGAGGAAAAATTTGTTTCATACAGA
AGGCGTTTCATTGTATGAATTAACCTGCCACCTAAGTGTGGGCTAACCCGACCAAGAGGG
ATTTACCTAAATCCATTAGTCACTGTATGGGGGTTTAAAGAAATTCAGAGAGTCATC
AGAAGAGGAAAAACAAAGGTAATGCTTTCTGCCACACAGGTAGACTCTTTGAAAATATGT
GTAATATGTAACAAATCGTGACACCCCATATTATTTTTCCAGCATTAACAGTATAAATT
GCCTCCCATGCTGAAGAGCTGCCTATCACCTTGCTAATCACTCCTCACAGTGACCTCAA
GTCCTGCAGGCATGTACAGCATGCAGCTCGCATCCTGTGTACATTGACACTTGTGCTCC
>EP14064 (+) Mm IL-3 (multi-CSF); range -499 to 100.

AGCTGCCTAGAGATACACTTAGCTCTGGCTACCACCAGCCAGACGACTAGCCACACATG
GAAGTTTAAACATGTGCCAGAATGCCTACCAAGTTCAAGTCTGCTCCAGTGACTCTGGTG
ACTACCTCTATCAGGTAGGGTGTACAGTCACCACATAGGCTGTACAGTCAGGGTCAAGTT
TGTGCAAGGGATGGTAGGATGAGATTCCACTGCATAGAAAGCCCAAGTGGCTCAGAGCC
AGGCTACTTCTCCACAACTGTTTCCACTCCGTCCTCTCTATGACAAAGGAAGAAGA
TGCCCTTTGAATAAGCAGTCTTCTTCCCATGTCGATAATCTTGAGTACTAGAAAGTGAT
GAATAAGTTTGTGGTTTGCTATGGAGGTTCCATGTGAGATAAAGCTGCTTCTGATGCCTG
CCCTCCCCCTGCCCGCGGGCCCCGCCCCACCCCTCTCTGAATACATATAAGGTGAAG
GCTCCTGTGGCTTCTTCAGAACCCCTTGAGGAGCAGAACGAGACAATGGTTCTTGCCAG
CTCTACCACCAGCATCCACACCATGCTGCTCCTGCTCCTGATGCTCTTCCACCTGGGACT
>EP14065 (-) Rn IL-3 (multi-CSF); range -499 to 100.

AATAAGGGTCAATGGGAAGGCTGCCTAGAGGGAGAGGGAGCTCTAGCTACCAGCGGCCAG
AGGACTAGCCCACCATGGACGTTTAAACATGTGCCAGAATGCCTACCATGTTCAAGTTT
GACCCAGTGACCTGGTGGCCCACTAATAGTGGTGGCCACAGTCAGGGGCAGATTTGTA
CAAGGGATGGTAGGAAGAGGTTCCAGTGCACAGAAACCCCAAGCTGGCTCGGAGCCAGGC
TACTCCTCCACCACTGTTTCCACTCGGTCCATCTCTATGACAAAGGAAGAAGATGGCC
TTTGAATAAGCAGTCTTCTTCCCATGTCGATAATTTTGAGTACTAGAAAACGATGAATA
AGTCTGTGGTTTGCTATGGAGGTTCCATGTGAGATAAAGCTGCTTCTGATGCCTGCCCTT
CCCCCATGCCCTGCCTGGGGCCCCGCCCCCTCTCGATGAATATATAAGGTGAAG
GCTCCTGTGGCTTCTTCAGAACTCTTGGAGGACCAGAACGAGACAATGGTTCTTGCCAG
CTCTACCACCAGCATCCTGTCATGCTGCTTCCGCTCCTGATGCTCTTCCACCAGGGACT

>EP15039 (+) Mm IL-4 (BSF-1); range -499 to 100.

AAGGTCTGCCTCCATCATCTTCTATGAGGTAAGACCCAGAGTCAGCTTTCCCAAGATA
TCAGAGTTTCCAAGGGGCCCCATAGCAGGAAGCAGCTAGGCCAGGTGTGCTCAAGGCA
GACTTTCTTGATATTACTCTGTCTTTCCCCAGGGCGACACCAGCACCTCGGACACCTGT
GACCTCTTCTTCTCTGCAGGAGGAGAGCCAGTGGCAACCTACGCTGATAAGATTAGTC
TGAAAGGCCGATTATGGTGAATTTCTATGCTGAACTTTGTAGATTTAAAAAAAAGG
GGGGGGAGGGGTGTTTCATTTTCCAATTGGTCTGATTTACAGGAAAAATTTACCTGTTTC
TCTTTTTTCTCCTGGAAGAGAGGTGCTGATTGGCCCAGAATAACTGACAATCTGGTGTA
TAAAAATTTCCAATGTAACTCATTTTCCCTTGGTTTCAGCAACTTTAACTCTATATATA
GAGAGACCTCTGCCAGCATTGCATTGTTAGCATCTCTTGATAAACTTAATTGTCTCTCGT
CACTGACGGCACAGAGCTATTGATGGGTCTCAACCCCAAGCTAGTTGTATCCTGCTCTT

>EP26038 (-) Hs IL-4 (BSF-1); range -499 to 100.

TGCCTGTTATTCTGCCTCTATGCAGAGAAGGAGCCCCAGATCAGCTTTTCCATGACAGGA
CAGTTTCCAAGATGCCACCTGTACTTGGAGAAGCCAGTTAAATACTTTTCAAGTAAA
ACTTTCTTGATATTACTCTATCTTTCCCCAGGAGGACTGCATTACAACAAATTCGGACAC
CTGTGGCCTCTCCCTTCTATGCAAGCAAAAAGCCAGCAGCAGCCCCAAGCTGATAAGAT
TAATCTAAAGAGCAAAATTATGGTGAATTTCTATGCTGAACTTTGTAGTTAATTTTTT
AAAAAGGTTTCATTTTCTATTGGTCTGATTTACAGGAACATTTTACCTGTTTGTGAGG
CATTTTTTCTCTGGAAGAGAGGTGCTGATTGGCCCCAAGTGACTGACAATCTGGTGTA
CGAAAAATTTCCAATGTAACTCATTTTCCCTCGGTTTCAGCAATTTTAAATCTATATATA
GAGATATCTTTGTCAGCATTGCATCGTTAGCTTCTCCTGATAAACTAATTGCCTCACATT
GTCAGTCAAATCGACACCTATTAATGGGTCTCACCTCCCAACTGCTTCCCCCTCTGTTT

>EP25045 (+) Mm IL-5 (EDF/TRF); range -499 to 100.

TTCTCAACATTTATGTATTTTAGCCTAACCTGTTGGAGGTATACATTTGAATACATTTT
TTCTCACTTTATCAGGAATTGAGTTTAAACACATATTAAGCAGGTGTGGGGCAGGGAGGG
GGGGATAAAAAAGAAGGTGCTCAAGAAAAGCCGATCACGCTCCAAGAGTGTGAGCATGG
GCGTCTCTAGAGAGATCCGCCATATATGCACAACTTTTAAAGAGAAATTCAATAACCAGA
ATGGAGTGTAATGTGGATCAAAGTTGTAGAAACATTCTTTATGTTATAGAAAATGCTT
TTTAAGCAGGGGTGGGGGTCAAGATGTTAACTATTATTAAGAGCAAAAAAAAAAAATG
CATTTTGTGTTGAAGACCCAGGGCACTGGAAACCTGAGTTTCAGGACTCGCCTTTATTAG
GTGCTCTATCTGATTGTTAGCAATTATTCATTTCTCAGAGAGAGAATAAATTGCTTG
GGGATTCGGCCTGCTCTGCGCTCTTCTTTGCTGAAGGCCAGCGCTGAAGACTTCAGAG
TCATGAGAAGGATGCTTCTGCACTTGAGTGTCTGACTCTCAGCTGTGTCTGGGCCACTG

>EP25044 (-) Hs IL-5 (EDF/TRF); range -499 to 100.

ATCAAGACCCCAAGTGAACAGAACTCGACCTGCCCAAGGCTTGGCAGTTTCCATTTCAATC
ACTGTCTTCCCACCAAGTATTTTCAATTTCTTTAAGACAGATTAATCTAGCCACAGTCAT
AGTAGAACATAGCCGATCTGAAAAAACATTCCCAATATTTATGTATTTTAGCATAAAAT
TCTGTTTAGTGGTCTACCTTATACTTTGTTTTGCACACATCTTTAAGAGGAAGTTAATT
TTCTGATTTTAAAGAAATGCAATGTGGGGCAATGATGTATTAACCCAAAGATTCTTCGTA
ATAGAAAATGTTTTTAAAGGGGGGAAACAGGGATTTTATTATTAAGATAAAAGTAAA
TTTATTTTTTAAAGATATAAGGCATTGGAACATTTAGTTTCACGATATGCCATTATTAGG
CATTCTCTATCTGATTGTTAGAAATTATTCATTTCTCAAAGACAGACAATAAATTGACT
GGGGACGCAGTCTTGACTATGCACTTTCTTTGCCAAAGGCAAAACGCAGAACGTTTCAGA
GCCATGAGGATGCTTCTGCATTTGAGTTTGCTAGCTCTTGGAGCTGCCTACGTGTATGCC

>EP17080 (+) Hs IL-6 (BSF-2) P1; range -499 to 100.

GCACGAAATTTGAGGATGGCCAGGCAGTTCTACAACAGCCGCTCACAGGGAGAGCCAGAA
CACAGAAGAACTCAGATGACTGGTAGTATTACCTTCTCATAATCCAGGCTTGGGGGGC
TGCGATGGAGTCAGAGGAACTCAGTTTCAAGACATCTTTGGTTTTTACAAATACAAATTA
ACTGGAACGCTAAATTTAGCCTGTTAATCTGGTCACTGAAAAAAATTTTTTTTTTTTTC
AAAAAACATAGCTTTAGCTTTATTTTTTTTCTTTTGTAAAACCTTCGTGCATGACTTCAGC
TTTACTCTTTGTCAAGACATGCCAAAGTGCTGAGTCACTAATAAAAGAAAAAAGAAAGT
AAAGGAAGAGTGGTTCTGCTTCTTAGCGCTAGCCTCAATGACGACCTAAGCTGCACTTTT
CCCCCTAGTTGTGCTTGGCATGCTAAAGGACGTCACATTGCACAATCTTAATAAGGTTT
CCAATCAGCCCCACCCGCTCTGGCCCCACCCTCACCTCCAACAAAGATTTATCAAATGT
GGGATTTTCCCATGAGTCTCAATATTAGAGTCTCAACCCCAATAAATATAGGACTGGAG

>EP17081 (+) Hs IL-6 (BSF-2) P2+; range -499 to 100.

GGGGGCTGCGATGGAGTCAGAGGAACTCAGTTTCAAGACATCTTTGGTTTTTACAAATAC
AAATTAACCTGGAACGCTAAATTTAGCCTGTTAATCTGGTCACTGAAAAAAATTTTTTTT
TTTTTCAAAAAACATAGCTTTAGCTTATTTTTTTTCTTTTGTAAAACCTTCGTGCATGAC
TTCAGCTTTACTCTTTGTCAAGACATGCCAAAGTGCTGAGTCACTAATAAAAGAAAAAA
GAAAGTAAAGGAAGAGTGGTTCTGCTTCTTAGCGCTAGCCTCAATGACGACCTAAGCTGC
ACTTTTCCCCCTAGTTGTGCTTGGCATGCTAAAGGACGTCACATTGCACAATCTTAATA
AGGTTTCCAATCAGCCCCACCCGCTCTGGCCCCACCCTCACCTCCAACAAAGATTTATC
AAATGTGGGATTTTCCCATGAGTCTCAATATTAGAGTCTCAACCCCAATAAATATAGGA
CTGGAGATGTCTGAGGCTCATTCTGCCCTCGAGCCACCCGGGAACGAAAGAGAAGCTCTA

[illegible]

CCTTTTGCCCCCGGGGACCCAGACACCTGTCTCAGACCCAGCACCGCCAGGTTTCTC
 CCGCTCAAGGTCTCAGCCTTCTGAAGCCCTCTACTTCAAGTTCTACCCCCACAGGAG
 TCCTGTCTGAAATCAGAGGGAAACAGCACCCATCGGTCCCCCAAAGTAGGCGTGGTG
 GGGGCAGGGGCAACCAGGATCCAGCTTCCAGGTTGCTCTGCTTGCCTGGTAACTGGCCC
 AAGACATTGCGCTCCAATCCGGGTGGGAGGGTGAGGAGATCCTTGATGCCTGGGTGT
 CCCCACATTTCAAAGCCCCCCCCACCCCGAGATGGAGAGAAGAACAGAGAGAAG
 GTGTAGAGCCCACTACCGCTTCTCCAGATGAGCTCATGGGTTTCTCCACCAAGGAGTT

TTCCGCTGGGTGAATGAGAGCCTTTCCCGCCCCCTCTCGCCCGGGGCTATAAAGGCA
GCTGTGTGCACACCCAGCCAGAGAAGCTCCCTCAGTGAGGACACGGGACCCAGCTAGGAG
GGAGAGCAGCAACTCCAGGCTCCCCGGCAGTAAGTCCAGACGCCGCCCCGCCAGACAA
>EP37008 (-) Ss TNF-a'; range -499 to 100.
TGTCGTCTAAGTTTTCTCTCCATTAAGAACTCAGTTTTCTGAAGCTCCTCCATTCTAG
TTCTACCCCTACCTGAGCCCTGTTTCGGAAATCAGAGAGAAATAGAAGTCATCCCCAAAG
AAAAGGAATTTGTCCTCCCAAGAAACAGAACTTGTCCCCAAAGAAATGGAAACAATGGG
AAATGGGAGGCAGGGGGGACCTGGGGTCCAGCCTCCAGGGTCTACACACAGAGCAGTAA
CTGGCCAGCAAGCCACCTCAGGATCCGGGCAGGGAGGGTAGGAAGTATCCCTGATGCC
TGGGTGTCCCCAACTTTCCAAACCGCCGCCCGCTATGGAGATGAAACTAAGACAGAAG
GTGCAGGGCCCCGCTACCGCTTCTCCAGATGAGCTCATGGGTTTCTCCACCAAGGAAGTT
TTCCGCTGGTTGAAAGAGAGCCTCTCCCGCCCTCTTCTCACCCAGAGCGTATAAATGCA
GCTGTTTGCACACCCAGCCAGCAGAAGCTCCAGAGTGAGGACACCAGGGGACCAGCCAG
GAGAGAGACAAGCCACTCCAGGACCCCTAGAAATAACCTCTCAGAAGACACACCCCCGA
>EP11158 (+) Hs TNF-a'; range -499 to 100.
AAACACAGGCCTCAGGACTCAACACAGCTTTTCCCTCCAACCCGTTTTCTCTCCCTCAA
GGACTCAGCTTTCTGAAGCCCCCTCCAGTTCTAGTTCTATCTTTTTCTGTCATCCTGTCT
GGAAGTTAGAAGGAAACAGACCACAGACCTGGTCCCCAAAAGAAATGGAGGCAATAGGTT
TTGAGGGGCATGGGGACGGGGTTTCAGCCTCCAGGGTCTACACACAAATCAGTCAGTGGC
CCAGAAGACCCCTCGGAATCGGAGCAGGGAGGATGGGGAGTGTGAGGGGTATCCTTGA
TGCTTGTGTGTCCCCAACTTTCCAAATCCCCGCCCCGCGATGGAGAAGAAACGAGACA
GAAGGTGCAGGGCCCACTACCGCTTCTCCAGATGAGCTCATGGGTTTCTCCACCAAGGA
AGTTTTCCGCTGGTTGAATGATTCTTTCCCGCCCTCTCTCGCCCCAGGGACATATAAA
GGCAGTTGTTGGCACACCCAGCCAGCAGACGCTCCCTCAGCAAGGACAGCAGAGGACCAG
CTAAGAGGGAGAGAAGCAACTACAGACCCCTGAAAACAACCTCAGACGCCACATCC
>EP24027 (-) Mm TNF-b'; range -499 to 100.
GCAGGCATGTCAAGCATCCAGAGCCCTGGGTTTCGAACCTGAAAAAACAAGGTGCCGCTA
ACCACATGTGGCTTCGGAGCCCTCCAGACATGACCATGATCGACAGAGAGGGAAATGTGC
AGAGAAGCCTGTGAGCAGTCAAGGGTGCAGAAGTGATATAAACCATCACTCTTCAGGGAA
CCAGGCTTCCAGTCACAGCCAGCTGCACCTCTCCACGAATTGCTCGGCCGTTCACTGG
AACTCCTGGGCTGACCCAGCTCCCTGCTAGTCCCTGCGGCCACAGTTCCCCGGACCCG
ACTCCCTTTCCAGAACGCAGTAGTCTAAGCCCTTAGCTGCGGTTCTCTCCTAGGCCCC
AGCCTTTCTGCCTTCGACTGAAACAGCAGCATCTTCTAAGCCCTGGGGGCTTCCCCAAG
CCCCAGCCCCGACCTAGAACCCTGCGCTGCTGCCACACTGCCGCTTCTCTATAAAGG
GACCCGAGCGCCAGCGCCAGGACCCCGCACAGCAGGTGAGCCTCTCTACCCTGTCTCC
TTGGGCTTACCCTGGTATCAGGCATCCCTCAGGATCCTACCTCCTTTCTTGAGCCACAGC
>EP37009 (-) Oc TNF-b'; range -499 to 100.
AGGGGGCTCCTTTCCCAAGGCAGCAGGTACACAGCCCTGATTTGAGACCTGCCAGACAG
CCTGGAAAGTGACACACTGGGACGAGCAAAGACGAGGGCCAGGGCTGCCGAGAAGGAA
GCTGGTGGGGTGCAGAGGTGTTCACTGCGTGCTGTTTCAGGGAAGTGGCCTGCAGCCCA
CAGCCAGGCTGCTGCCGCTGCTCCTCCCCGAAACGCCTGTCCCTTCTCTGGAAGTGTGG
GCCTGCCCTCCCTCCGCGGCCGTCCAGCCACGGTTCCCTGACCCCACTCGCCTTCCC
AGAACTCAATCGCCGAGCCCCAGCCTGTGGTTCCTCTAGGCCCAAGCCTTTCCTGC
CTTCGACTGAAACAGCAGCATCTTCTGAGCCCTGGGGGCTTCCCCGGGCCCCAGCCCCGA
CCTAGAACCCTGCCCCGCGCTGCCACGCTGCCGCTGCCACTGCCGCTTCTCTATAAAGG
GACCCAAGCGTCCGGGCCCCAGGGGCCCCGCACAGCAGGTGAGAGTCTTCTGCCAGCTGC
CTGGCTGCCGCACAGCCTCTGCCCCCTCCGCCCCGGGCACAGGCCGGCGCCACCTGCCTG
>EP37010 (-) Ss TNF-b'; range -499 to 100.
TTGTTGATATGAAATCAGCCAGATGACCTGGAAAATACACAGACTGGGACAAGTGTGACT
TGAGCCTCTTGGGCCCAGGACAGGGGTACAGAGGAGGAAACGTGCACAGAGAGAAGCCCG
TAATCAGCCAAGGCTGCAGAGGTGTTATACATAATCGCTCTTCACGCAACCGGGCAAGCA
GCCACGCCCCAGCTGCACTCCATCTCCTCCTCTGAAGTCAACGTCCTTCTCTGGAAGT
CCTAAGCCTGACCCCGCTCCCTGGCCCTCCAGCCACGGTTCCCTGACCCCACTCCCT
TTCCAGAACTCAGTCATCTGAGCCCCAGCCTGCGTTCTCTCTAGGCCTCAGCCTTTC
CTGCCCTTCCGCTGAAACAGCAGCATCTTCTAAGCCCTGGGCTTCCCCAGGCCCCAGCCCC
GGCCTAGAACCCTGCCCCAGCCGACCTGCCACGCTGCCACTGCCGGCTTCTCTATAAAGG
GACCCAGGGCGCCAGAAAGGGGCCACAGGGGTCCCGCACAGCAGGTGAGACTCTCCCA
CCCCATCTCCTAGGGCTGTCCGGGTGCTGGACTCCCCCTCACTTCGGTCCCTCCGCCCC
>EP11159 (+) Hs TNF-b'; range -499 to 100.
CTTCTTGATGTGAAACCTGCCAGATGGGCTGGAAAGTCCGTATACTGGGACAAGTATGAT
TTGAGTTGTTTGGGACAAGGACAGGGGTACAAGAGAAGGAAATGGGCAAGAGAGAAGCC
TGTAAGTCAAGGCTGCAGAGATGTTATATATGATTGCTCTCAGGGAACCGGGCTC
CAGCTCACACCCAGCTGCTCAACACCTCCTCTCTGAATTGACTGTCCCTTCTTTGGAA
CTCTAGGCCTGACCCCACTCCCTGGCCCTCCAGCCACGATTCCCTGACCCGACTCCC
TTTCCAGAACTCAGTCGCTGAACCCCCAGCCTGTGGTTCTCTCTAGGCCTCAGCCTT

TCCTGCCTTTGACTGAAACAGCAGTATCTTCTAAGCCCTGGGGGCTTCCCCGGGCCCCAG
CCCCGACCTAGAACCCGCCCGCTGCCTGCCACGCTGCCACTGCCGCTTCTCTATAAAGG
GACCTGAGCGTCCGGGGCCAGGGGCTCCGCACAGCAGGTGAGGCTCTCCTGCCCCATCTC
CTTGGGCTGCCCGTGCTTCGTGCTTTGGACTACCGCCAGCAGTGTCTGCCCTCTGCCT
>EP23005 (+) Rn calmodulin; range -499 to 100.

TCCAAAATGAGAAAAGGCCAACACCTTGTCTCCAAACACAGTCCCCTCTCCTCTGCAGC
TAAAACTGTAGGGTCGATTCCCCCTCCCCGCGGCTGTCTCAGCCCCTGGACCTCCTGAA
GGTCTCTCCCTGTGGGGACCCAGGACGGTGGCTCTGCAACCTCGAAACCACAGGAGTGG
TGGGAGGGGGACACACAGGTGGAGTGGAGTTGAGTGACCGACACGCAGCTGGAAGGCCGA
GGCGGACCCAGGTCTCGCTACGCAGGCATTCTAGCTCTAGAGGACTCTTGCTTGTCTCA
ACAGGCCAGCAGCCTTGCTCAGGTCCCAGGACTCCCAAGTGACCTCTGCCCCGCTAATGAG
CCCCGCGCGCGGGGCGCGCTTGGGGGCGGAGCCTTGCGGTGAGGTCCGGTTGTGCGAGC
GCCGCCCTGCGCGAGGCGGTACTGCCGCGCGGAGGGATACCGCGCACCGTATATATATC
GCGGCACACAGGCTCGCGTACGGCAGTGGTGTGGGAGTCTCGTGTCGTGGTGCCGTT
ACTCGAGTCGGGCGGCGGCTGAGGCTCAGCGCACAACGCAGGTAGCGCGTTAGCAGCAG
>EP24005 (+) Gg calmodulin; range -499 to 100.

GGCGGCAGCGCAGCCAGCCTAAGGCCGTCCCCGCGCACCGGGCCAGCCCCGCGCACT
GCGGGCGGGCGGGGGAGGGGCGCGTCCAGCCAGACTGTGCATGTCCAGTGACGCA
TTGCAGGTACGAATCCACCAATCGGCGCCCTCCGCTCGGAGTTCTGTCTACGGAGAGGCG
TTTTTTTCTAGAATCCTCCTCCGCTCGGACAAATAGTCCGCGGGCGCCCCCTCCGGCGC
CCACCGCGCGGCTTCGGCCAGCGCCGACCCTCGCGCTTCTCCCCCGCCTCCCGGCGC
CGCGTCCCGGGGGCCCGGGGCGAGAAAGGGGGCGAGGCGGGGGCGGGGAGGGCCCCGCG
GGCAGAGCGCGGGGAGCCGGGACTCGTTTCGCGGCGCCGTTCCCTGACGGGGAGAGGGGT
GGGGGGAGGGAGCGGCGCGGAGCGATCCGCGCGGGCTGTGAGGCGGTTTATGAGGCACGG
CTGGCGGCGGGGAGGGCTCAGTGTGAGGCGAGCAGAAAAGTTGGCAGGTGCTGGTGGG
CACCAAGCAGCGTTAGCTCCACCGCACCCCGCAGCCGGGCCGAGCCACCATGGTGAGT
>EP26025 (+) Hs MRP-8; range -499 to 100.

CATGACTAAAAGCCATCAGCCAGGACACGTGTTCTCAACCCTTTTGCGGTCTTTGGACCC
TTTGAAACTCTGACAGAAGCCATGGAGGAATGTTCTCACTGAGTGCATGCACTCAAAATG
ATGCATTCAACTTCAATTCAGTTTCAGGGATGTATGGCTGACCACCAATGCAGGGGATT
AGCAATCGCAATAGTGGAGAGGGCATGGGAGTGGGAATCTGGCTGGATCAAGCAAGTGG
TGCCAGCAGCCAGAAAAAGAGCCCCCTACCTGCTTTTCTTCTGGGCACTATTGCC
AGCAAAATGCCTTCTCTTCCGCTTCTCCTACCTCCCCACCCAAAATTTTCATTCTGCAC
AGTGATTGCCACATTACCTTGCTTGGAGAAACAGAGACTGTAGCAACTCTGGCAGGGAGA
AGCTGTCTCTGATGGCCTGAAGCTGTGGGAGCTGGCCAAGCCTAACCCTATAAAAAAGG
AGCTGCCTCTCAGCCCTGCATGTCTCTTGTGAGCTGTCTTTCAGAAGACCTGGTAAGTGG
GACTGTCTGGGTTGGCCCCGCACTTTGGGCTTCTCTTGGGGAGGGTCAGGGAAGTGGAGC
>EP26026 (+) Hs S100A9; range -499 to 100.

AACCCCTTCTAACCCCAATCTCACCTATGAATCTAAGAACACCAACCCCTCGCCATCCT
AAGTATCACAGAGCCAGGCAAGCATGGGTGAGAGCTCAGACCATCCTTGTGGACTAAAA
GGAAGGGGCGAGCTGCCATGGGGGCGAGCGAGAGGTCAGGCCCCCATAGGTCTCAG
CCTGCTTCAACCTCAAAGGGGATGGGGGGCTGAGTGGTGCCAGAGGAGCAGCAGGCTCGC
TCGGGGAGAGTAGGGCCTTAGGATAGAAGGGAATGAATAAACAACAGCTTCCTCCCA
AACCAAGTTTCAGGCCAGGGCTGGGAATTTCAAAAAAGCAGAAGGCGCTCTGTGAACAT
TTCCTGCCCCGCCCCAGCCCCCTTCTGGCAGCATTACCACACTGCTCACCTGTGAAGCA
ATCTTCCGGAGACAGGGCCAAAGGGCCAAGTGCCCAAGTCAGGAGCTGCCTATAAATGCC
GAGCCTGCACAGCTCTGGCAAACACTCTGTGTGGCTCCTCGGCTTTGGTAAGTGAGCTGC
CAGCTTCCCCAGGCAGAAGCTGCCTGCCGATTCTTCTTCTTCTTCCCTGACCCAACTTC
>EP15043 (+) Hs EGF receptor P1; range -499 to 100.

AGAGGGTCCCGTAGTGCTGCAGGGGAGGTGGGGACCCGAATAAAGGAGCAGTTTCCCGCT
CGGTGCCATTATCCGACGCTGGCTCTAAGGCTCGGCCAGTCTGTCTAAAGCTGGTACAAG
TTTGCTTTGTAAAAACAAAGAGGGAAGGGGAAGGGGACCCTGGCACAGATTTGGCTC
GACCTGGACATAGGCTGGGCTGCAAGTCCGCGGGGACCGGGTCCAGAGGGGCGAGTGTG
GGAACGCCCCCTCTCGAAATTAACCTCTCAGGGCACCCGCTCCCTCCCATGCGCCGCC
CACTCCCGCCGAGACTAGTCCGCGGGGGCCACCGCTGTCCACCGCTCCGGCGGCCG
CTGGCCTTGGGTCCCCGCTGTGTTCTCTCCCTCCTCCTCGCATTCTCCTCCTCCTCT
GCTCCTCCCGATCCCTCCTCCGCGCTGGTCCCTCCTCCTCCCGCCCTGCCTCCCCGCG
CCTCGGCCCGCGCGAGCTAGACGTCCGGGAGCCCCCGCGCAGCGCGGCCGAGCAGCC
TCCGCCCCCGCACGGTGTGAGCGCCCCGAGCGGGCCGAGGCGGGAGTCCCGAGCTAG
>EP15044 (+) Hs EGF receptor P2; range -499 to 100.

CCAGTCTGTCTAAAGCTGGTACAAGTTTGTCTTGTAAAAACAAAGAGGGAAAGGGGAA
GGGGACCCCTGGCACAGATTTGGCTCGACCTGGACATAGGCTGGGCTGCAAGTCCGCGGG
GACCGGGTCCAGAGGGGCGAGTGTGGGAACGCCCTCTCGGAATTAACCTCTCAGGGCA
CCCGCTCCCTCCCATGCGCCGCCCACTCCCGCCGAGACTAGGTCCCGCGGGGGCCAC
CGCTGTCCACCGCTCCGGCGGCCGCTGGCCTTGGGTCCCCGCTGTGTTCTCCTCCCT

CCTCCTCGCATTCTCTCTCTCTCTGCTCCTCCCGATCCCTCCTCCGCCGCTGGTCCCT
CCTCCTCCCGCCTGCCTCCCGCGCCTCGGCCCGCGCAGCTAGACGTCCGGGAGCC
CCGGCGCAGCGCGGCCGAGCAGCTCCGCCCCCGCACGGTGTGAGCGCCGACGCGC
CGAGGCGGCCGAGTCCCAGCTAGCCCCGGCGGCCGCCGCCAGACCGGACGACAG
GCCACCTCGTCGGCGTCCGCCGAGTCCCCGCTCGCCGCCAACGCCACAACCACGCGC
>EP15045 (+) Hs c-erbB2/neu P1; range -499 to 100.

ACTGTCTCTCCCAAATTTGTAGACCCTCTTAAGATCATGCTTTTCAGATACTTCAAAGA
TTCCAGAAGATATGCCCCGGGGTCTTGAAGCCACAAGGTAACACAACACATCCCCCT
CCTTGACTATCAATTTTACTAGAGGATGTGGTGGGAAAACCATTTTATATTTAAACA
AATAGGCTTGGGATGGAGTAGGATGCAAGCTCCCCAGGAAAGTTTAAGATAAACCTGAG
ACTTAAAAGGGTGTTAAGAGTGGCAGCCTAGGGAATTTATCCCGGACTCCGGGGAGGGG
GCAGAGTCACCAGCCTCTGCATTTAGGGATTCTCCGAGGAAAAGTGTGAGAACGGCTGCA
GGCAACCCAGGCGTCCCGCGCTAGGAGGGACGCACCCAGGCTGCGCGAAGAGAGGGGAG
AAAGTGAAGCTGGGAGTTGCCACTCCCAGACTTGTGGAATGCAGTTGGAGGGGGCGAGC
TGGGAGCGCGCTTGTCCCAATCACAGGAGAAGGAGGAGGTGGAGGAGGAGGGCTGCTTG
AGGAAGTATAAGAATGAAGTTGTGAAGCTGAGATTCCCCTCCATTGGGACCGGAGAAACC
>EP15046 (+) Hs c-erbB2/neu P2+; range -499 to 100.

GCCCGGGGGTCTTGAAGCCACAAGGTAACACAACACATCCCCCTCTTGACTATCAA
TTTTACTAGAGGATGTGGTGGGAAAACCATTTTATATTTAAACAATAGGCTTGGGA
TGGAGTAGGATGCAAGCTCCCCAGGAAAGTTTAAGATAAACCTGAGACTTAAAAGGGTG
TTAAGAGTGGCAGCCTAGGGAATTTATCCCGGACTCCGGGGAGGGGGCAGAGTCACCAG
CCTCTGCATTTAGGGATTCTCCGAGGAAAAGTGTGAGAACGGCTGCAGGCAACCCAGGCG
TCCCGGCGCTAGGAGGGACGCACCCAGGCTGCGCGAAGAGAGGGAGAAAGTGAAGCTGG
GAGTTGCCACTCCCAGACTTGTGGAATGCAGTTGGAGGGGGCGAGCTGGGAGCGCGCTT
GCTCCCAATCACAGGAGAAGGAGGAGGTGGAGGAGGAGGGCTGCTTGAGGAAGTATAAGA
ATGAAGTTGTGAAGCTGAGATTCCCCTCCATTGGGACCGGAGAAACCAGGGGAGCCCCC
GGGAGCCGCGCGCCCCCTTCCACGGGGCCCTTTACTGCGCCGCGCGCCCGGCCCCACC
>EP49021 (-) Hs lck P1; range -499 to 100.

TATCACTTTATCTATGGAGTTCTGCTTGATTTTCATCAGACAAAAAATTTCCACTGCTAAA
ACAGGCAAATAAAACAAAAAAGTTATGGCCAACAGAGTCACTGGAGGGTTTTCTGCTG
GGGAGAAGCAAGCCGTGTTTGAAGGAACCCTGTGAGATGACTGTGGGCTGTGTGAGGGG
AACAGCGGGGGCTTGATGGTGGACTTCGGGAGCAGAAGCCTCTTCTCAGCCTCCTCAGC
TAGACAGGGGAATTATAAGGAGGTGTGGCGTGCACACCTCTCCAGTAGGGGAGGGTCT
GATAAGTCAGGTCTCTCCAGGCTTGGGAAAGTGTGTGCATCTCTAGGAGGTGGTCTC
CCAACACAGGGTACTGGCAGAGGGAGAGGGAGGGGGCAGAGGCAGGAAGTGGGTAAGTAG
ACTAACAAGGTGCCTGTGGCGGTTTGCCCATCCAGGTGGGAGGGTGGGGCTAGGGCTC
AGGGGCCGTGTGTGAATTTACTTGTAGCCTGAGGGCTCAGAGGGAGCACCGGTTTGAGC
TGGGACCCCTATTTTAGCTTTTCTGTGGCTGGTGAATGGGGATCCAGGATCTCACAAT
>EP49022 (+) Hs lck P2; range -499 to 100.

ATTGTTCTCTCGCCTGACCTGACTGTAACATGCATGGTCTGCTCACCAGCTATTTAACA
GGGATATTGTCTCTCTCTGACTCTGAACGATGCTACCTTTGCTGCCAGACAGAAACAA
AAGGGTCTCTCAGCTGCAACGGTGGTGTGAGGTGCTGTTGCCTCTCACCATAAGCTGA
GTGTGTGTCCGCTTGCCCCCTGCTCACTGGGCCCCAAGGCTGCCCTTGAATCTCTTGCCC
AGATGCACCTGGAGGGCAGAAAGGAGGGTCTATCAGACATCCTCCCCCAACTTTAAAC
CTCCAGTGTCACCTGGGACAGTAGGGGAAGATGGACCTGGTCTGGAGATGTAGGGGAC
CCCCAGGGGCTGAGAGGCAGGGGTCTATGGTGGCAGGAAGCTTGGCGTGTAGAGGGTTG
TGGTTGGGCTGCTGGGGCCCGGTTGGCTGCGGAGCCCTCCGGAGGAGGCAGGAAGTCAGG
GTGGGACGTGGGCGCGGGGAGACAGGTGGTGGCTACGACGGCGAAGGGAGCTGAGACTGT
CCAGGCAGCCAGGTTAGGCCAGGAGGACCATGTGAATGGGGCAGAGGGCTCCCGGGCTG
>EP49023 (+) Mm lck 1; range -499 to 100.

TGCTTGATTTCAATTTGACAAAAAGTTTCCACAGCTAAACCAGGCAAGGGAGCCGAAGTAG
ACACAGCCACCCGGGCCGCGCCAACAGGTTTCTCTCTGCTGCTGAGAAGCAAAAGCCTGT
TTGAAGAACTCTCTGAAGGAGACTGTGGTTGAGTGGTGGGGGTAGGGGTGCTGGGGTTG
GGCTGAGGCTGAGGGTTGACTCTAAGGAGCTGGAACCTCTCAGCTTCGGTGGCTAGACAG
GGGAGTTGTAATGAAGAGGGACAGGTACCTCCTTGGTGGAGGAGGGTGAATGAACTC
TCGGTTTCCCCAGAACTTGCAAAAGTGTGTGTGATGTCTCCAGGTAGTCCCCAAAGG
AGGAGGCTAGCAGAGCTGGGGCGGCAGGAAGTGGTAAGTACTAGACTAACAAAGATGCCTGT
GGCGGTTTGCCCATCCAGGTGGGAGGGTGGGACTAGCCTTGGGCCTGGGCCTCCTGTGA
ACTTGGTGTCTGAGGGCTCAGAGGGAACCCAGTCAGGAGCTTGAATCCCACGATTACGCG
CTTCTGTCTGCGGCCAATGGGGGCTCTGAGCTGACGATCTCGGGTACTTTTTGTAACCTT
>EP25082 (-) Bt rhodopsin; range -499 to 100.

TGTGAAGCTCACGACCTGGCCGGTGGGCACTGTCAAGTGTGTGGTACTGGATAAGCCCAG
AGGTGACCCAGGTGGGGAAGGGACAGCTCAGGGGCTGAGTGAGGGGATGACCGAAGGACC
AGCGCTCTGCCCTCCAGGAGCTCGTGGGCCAGGCGGGAGGAAGGCAAAATTTGCTTGCCC
TGAGCCAGAGGGAAGTGGGCTAGAGCTAGGGGTCCCAATGCCAGGCCAGGGCCATCAGC

TGAGATGCCAGAGGGGGACAGGGGAGTTGGGGGACAGGCCTCTGCTCTTTCCAGGGTCCC
CAGCACGCCCCGCTTCTCCCGACACAGCCTTCTACCTGGAGTCACCTTGGCCCCACC
TGGAAAGCCAATTAAGCCCCCTCGTTGCAGCAGTGAGGATTAATATGATTAATAACGCCCC
AATCTCCGAGGTGCTGATTAGCCGGGAGCTTAGGGAGGGGAGGTCACTTCATAAGGGCC
TGGGGGGGAGTTGGAGCCACGAGTCGTCCAGCCGGAGCCCCGTGTGGCTGAGCTCCGGC
CTCAGAAGCATCCCCGGGTTGCGCGCGCCGGCAGCCGCAAGGGCCGAGCCATGAA
>EP25083 (+) Hs rhodopsin; range -499 to 100.

TGTGTCTGGCACCAGAAACGGAAGCTGCAGGTTGCAGCCCTGCCCTCATGGAGCTCCTC
CTGTGAGAGGAGTGTGGGGACTGGATGACTCCAGAGGTAACCTGTGGGGGAACGAACAGG
TAAGGGGCTGTGTGACGAGATGAGAGACTGGGAGAATAAACAGAAAGTCTCTAGCTGTC
CAGAGGACATAGCACAGAGGCCCATGGTCCCTATTTCAAACCCAGGCCACCAGACTGAGC
TGGGACCTTGGGACAGACAAGTCATGCAGAAGTTAGGGGACCTTCTCCTCCCTTTTCTCTG
GATCCTGAGTACCTCTCCTCCCTGACCTCAGGCTTCTCCTAGTGTACCTTGGCCCCCTC
TTAGAAGCCAATTAGGCCCTCAGTTTCTGCAGCGGGGATTAATATGATTATGAACACCCC
CAATCTCCAGATGCTGATTAGCCAGGAGCTTAGGAGGGGGAGGTCACTTTATAAGGGT
CTGGGGGGGTGAGAACCAGAGTCATCCAGCTGGAGCCCTGAGTGGCTGAGCTCAGGCCT
TCGCAGCATTTCTGGGTGGGAGCAGCCACGGGTCAGCCACAAGGGCCACAGCCATGAATG
>EP25084 (+) Hs opsin blue; range -499 to 100.

TGTGCTTCCAGGGCACTCCCCACTCCAGCCCTTCTCTGCAGCCAGGGCTGGTTCCTAG
CCTCTCAGCAGACTTAAGATGGGCACCTTCCACAAAGGGGCAGATGAGTTGAGGAAAAC
TAACTGATACAGTTGTGCCAGAAGCCAAAATAAGAGGCGTGCCCTTTCTATAGCCCCATT
AAAAGAACAATAAGTGAAGCATCTTCAGTGAATATGGGTGAGCACCTCCAGACCTCA
GGGAGTCCACTTCTGTTTATCCAGCACCCAGCATTGCATATCCAGATTATTTGAGCCCA
ATCTCTTATCCTCTGAAGAACAATCGGCTTTGGGGCCACAGAAGGTTTAGGTAGTGGT
TTAGGGATTTCTAATCCCAAACCTTTGTCTTGGGAGGTTTAGGATTAGTATTGATCATTC
ACAGAGCCCCAAGTGTTTTTAGAGGAGGGGTTTTGTGGGGTGGGAGGATCACCTATAAGAG
GACTCAGAGGGGGGTGTGGGGCATCCATGNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP25085 (-) Hs opsin red; range -499 to 100.

AAATCTCGCCCGTTTGGGCCACGGACATGGCTGGCCTCGCAAGGAGGATCCGGTTCAG
GCCTCGGCCCTAAATAGTCTCCCTGGGCTTTCAAGAGAACACATGAGAAAGGAGGATTC
GGGCTCTGAGCAGTTTACCACCCACCCCCAGTCTGCAAACTCTGACCCGTGGGTCCAC
CTGCCCCAAAGCGGACGACGAGTAGAAGGGAACAGAGAACATAAACACAGAGAG
GGCCACAGCGGCTCCCACAGTACCGCCACCTTCTGCGGGGATGGGTGGGGCGTCTGA
GTTTGGTTCCAGCAAATCCCTCTGAGCCGCCCTTGC GGCTCGCCTCAGGAGCAGGGGA
GCAAGAGGTGGGAGGAGGAGTCTAAGTCCCAGGCCCAATTAAGAGATCAGGTAGTGTAG
GGTTTGGGAGCTTTAAGGTGAAGAGGCCCGGGCTGATCCACAGGCCAGTATAAAGCGC
CGTGACCCTCAGGTGATGCGCCAGGGCCGGCTGCCGTGGGGACAGGGCTTTCCATAGCC
ATGGCCCAGCAGTGAGCCTCAAAGGCTCGCAGGCCGCCATCCGAGGACAGCTATGAG
>EP25086 (+) Hs opsin green; range -499 to 100.

NNNTTATTTAGTAGAA
CGGGGTTTACCATGTTAGTCAGGCTGGTGGGAACTCCTGACCTCAGGAGATCTACCCG
CCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGTGCCACTGTGCCAGCCACTTTTTT
TTAGACAGAGTCTTGGTCTGTTGCCAGGCTAGAGTTCACTGGCGCCATCTCAGCTCACT
GCAACCTCCGCCTCCAGATTCAAGCGATTCTCCTGCCTCGACCTCCAGTAGCTGGGAT
TACAGGTTTCCAGCAAATCCCTCTGAGCCGCCCCGGGGCTCGCCTCAGGAGCAAGGAA
GCAAGGGGTGGGAGGAGGAGTCTAAGTCCCAGGCCCAATTAAGAGATCAGATGGTGTAG
GATTTGGGAGCTTTAAGGTGAAGAGGCCCGGGCTGATCCCACTGGCCGGTATAAAGCGC
CGTGACCTCAGGTGACGCACCAAGGCCGGCTGCCGTGGGGACAGGGCTTTCCATAGCC
ATGGCCCAGCAGTGAGCCTCAAAGGCTCGCAGGCCGCCATCCGAGGACAGCTATGAG
>EP60012 (+) Hs a'-1a-AdrenR; range -499 to 100.

ATTCCACCGCGTGAGAGTGAGCGTGCTGCTGGTCTGGCCCTGAGGTCCCTGGGTGCA
GCTGTTCCCTCTCCAGGCCGCCCTCCAGGTGACTGCGAGGCAACCTGTTCTAACGGA
AACCGAGTACATCTCCAGAATTCCCCGGTAGGATCCGTGCGACACACTCGCCAGCCGC
AGTCGCCCCCTCCGGGGCTTCGAGGATTTTAATTTCTGTGTACCTGCGCTCGAAATCCAGA
CTTCGAGCGCTGGAGCCTGGGGTTTTGGGGATTTGTTTTTTGTTTGTTCGCTTCGG
ATCCTGAACCTCGGCAGAGGTGACTCAGTAGAGTGCGCTAGGCAGGTTCCAGTGGTGGG
GGCGCGAGATGAGCTCCGAAGTGCCTCCACCGCTGCCGGGCGAAGCAGCTTCTGGACCG
CAGAACCAACCCGGCTCCCAACTGGTGTCCCCCAACCCGTCAAGCTCAGCACAGCCTCTT
TCCCTGGGGCGCTAGCTCAAAGCCGCCTTTCTTTGCGCTCTTTCAGGTGGACGCGGT
CAAACGATGCCCCGAGCCTCCTGGGTCTCAGCACATATTCCACACCTACGTCCCCTGAC
>EP29017 (+) Mm b'2-AR; range -499 to 100.

GTCTCCAGAAAGAGCGGGACGGGTGTGTCTCGGTGGCTGTGGCTGTGGTTCCGCATAAG
TCTGAGCATGCTCTGGTGTGTCAGGGTGCCTTTGTGCTGTGTGTGCGTGTCCGGGTGAGCT
TGCTCTTTCTGTTCTCTAAAAGAAAATGCACCCTGCGTACCGGCGTCCAGAGACTCTCAG

CCCGCAGAGGTGACCTGAACGGACAGGTAGCACCTCCAGACAGCGCCTGGTTGGCGGGTT
GCACAGCAGCCCCAGATTTCTCTCTGGTGCCCCAGCTAGGGTAGCTGGAAGGGAGCGG
TGGCCTGGCCTCCGGGGAGCCGCTGGGCCCCGCCGGGCTAACCCAGGAGGAGGCCGGCTA
GGCTGGGAGGGTTAGCCCTTGGTGCCCTACGCCTGCCCGGGCCAGTCGCGGCCGCCGGCC
ATTGGCCCAAAGAATTGTTGCACGTCACTGGCAATTCCTTAGAAGTCTGTGCACATAAC
GGGCAGGGCGCACTGCAAGGTGCTTCTCCCGCATTTAGGCTGCGGCTGCAGGCACCGCG
AGCCCGGAGCACCCACGAGCTTAGTGTGCAGGACGCACCCAGCACAGCCACCTACGGCC
>EP25039 (-) Hs b'2-AR; range -499 to 100.

GGTGAGCTGGGAGGGTGTGTCTCAGTGTCTATGGCTGTGGTTTCGGTATAAGTCTGAGCAT
GTCTGCCAGGGTGTATTTGTGCCTGTATGTGCGTGCCTCGGTGGGCACTCTCGTTTCCTT
CCGAATGTGGGGCAGTGCCGGTGTGCTGCCCTCTGCCTTGAGACCTCAAGCCGCGCAGGC
GCCCAGGGCAGGCAGGTAGCGGCCACAGAAAGAGCCAAAAGCTCCCGGGTTGGCTGGTAAG
GACACCACCTCCAGCTTTAGCCCTCTGGGGCCAGCCAGGGTAGCCGGGAAGCAGTGGTGG
CCCGCCCTCCAGGGAGCAGTTGGGCCCGCCCGGGCCAGCCCAGGAGAAGGAGGGCGAG
GGGAGGGGAGGGAAGGGGAGGAGTGCCTCGCCCTTCGCGGCTGCCGGCGTGCCATTGG
CCGAAAGTTCCTGTACGTACGGCGAGGGCAGTTCCTTAAAGTCTGTGCACATAACGG
GCAGAACGCACCTGCCGAAGCGGCTTCTTCAGAGCACGGGTGGAAGTGGCAGGCACCGCGA
GCCCTAGCACCCGACAAGCTGAGTGTGCAGGACGAGTCCCCACCACACCCACACCACAG
>EP45002 (+) Hs endothelin-A rec.; range -499 to 100.

CCACTTTCTGTAAGGTCGGCTTCTTCATTGTTTGAATTTCTTGAGGTTTCACGGAGCCAC
GCGCTGGAACCTTCATAGTCTCTCCTGAGGCTCCTTCTTGGCCTGGGCTGGAGGTCTG
TAGCCGTGGGATGCTGGCTACAAGGGACAAGATAGAAGCAAACACCTGATCCAGTAAAC
TGCTGTCCACTTCGGCTCCTCAACGGCCTCTAAGCTTAAGAGGGAGCACGCAAGCCAAGC
AAAGGCGGCAGGGAAGACGGAGAAGAAACACCCGTGGGCCCTGGCTCTGTGTCCAGTTG
TTCCGTACACAGATCAAATCTGCCTGCACTAAGAGGATGGGTTCTCTGCAAGGCCTTTCG
GAATTCGTAGTCTTGTCTGTCAAACCTCTACCTCTCTCCTCCACATCCCCACCTTTTCT
TTCAGGAAGGAAATAGTTAAAAAAGACTCTGCCCCTCAGGGCCTGGAAGGGGGCGGCAG
CTTTGTGCTTTTGTAGTGGCCGCTCCAGGATAGCTGGAAGGTTAGGACGCTCTTGCGGT
CCCAGAGTGGAGTGGAAGGTTGAGGCTTTGGGAGGAGACGGGGAGGACAGACTGGAGGC
>EP45003 (+) Hs endothelin-B rec.; range -499 to 100.

TACTAGTTTGGGATTTTAAAAAATAAAAAATTAAGCCTATAGAGAGGGCAAATTTAAAT
AGGTTGGGTAAGGAAGGAGCGCGAGTGTGTTGAAGCCGTTTGGAGGGAACAGCGGTTTCC
AAGTTCCTGTGACTTGAGAAGTCTCTGCGGGTTTCCGAATCTCCGGCGCACTCTGGGC
GCGCTCGGGAGCTGTAGCTCAGCCAGGGAGTAGCGGCTTTCATCCGCCGGGAGGA
GTCTTTCGAGTTCAATCGCGGGGTATAGAGGTTCCCCTGCGGGGCAAAATGCAGAGCTTG
ACACAAGCCCTTGCCCTCTAGGTGCCTTAATTCGCGGTTCCACGCACGCTTAAGTAAG
ACGTGTCTGTATTCTCCCGTTACGTGAAAGAGTTTCGGAGCTTTGCCTGGGACCCCCATC
ATTCCCTCCCTGGCACACCCCTTCCAGAACGCCCCGCCCCACTGCATATTATTTACCCCT
CCTGGCCACGCGGGGAAGAAAAACAGCTGAGAGGGCATCAGGAAGGAGTTTCGACCCGC
GCTGGCGAGTCATGAGCGCAAGTTTCCCACTGGCGCGCAAACTTGAGTTACTTTTGAGC
>EP57007 (+) Hs IL-8 receptor B; range -499 to 100.

CTTGGGGGAAAGAAAGCAATTTGTTTTTGTTTTTTTTTTAATGGATTTGCTGGGTTTA
GTAACCCAGAGGTCAATTGGGAACCTTGCGGAAAGTTATTTCAAGTGGAGCAGTAGGAAGGA
AGCCAGTTGCAGTGTCTTTGTTGAGCAGCAGAGGGGAGGTGAGGAAGTGGAGAGAGCAGC
TGTGGTGGCTGAAGGGTGCTAGGACAGAGGGAGCATGATAAAGCCATAAGTAAGATGTGG
TAGAAGGGAAAGAGCCAGGACAGAGGGGAGAGAAAGCAGGATCCTCAAGGACCAGAGAGG
CAGTGGGTCCCACAGTCAGGTGCGGGGATTCAACAGAAACAGAAGGAGGGACGCTTCTCA
CTCTGACCCCGAAAGAAGGAAGAAATGCGTGCGAGTTCAGACAAGTCCGTTGGCGGGG
GCTGGGATGCCATCTTCTTTGTTAAAAAAGGAAGTGAGGTTCAAAACATTTCAGAGA
CAGAAGGTGGATAGACAAATCTCCACCTTCAGACTGGTAGGCTCCTCCAGAAGCCATCAG
ACAGGAAGATGTGAAAATCCCCAGCACTCATCCAGAATCACTAAGTGGCACCTGTCTGT
>EP11142 (+) Hs IL-2 receptor P1; range -499 to 100.

CTTTCAGGAGCCAGGGCACTGTGGTGAAATGATGATGGCTAGTACAGGTTATAAGCCTT
GGGGAATTATTTATGAATTCTCAGGATCCTTCAGTTCGCCGCATCCTTCTCCATTATTTG
AATATTGGAGGTGCTTGACCAGAATCTTGTCAGGACTTTGCTCCTTCATCCAGGTGGT
CCCGGCTGACTCCTGAGGACGTTACAGCCCTGAGGGGAGGACTCAGCTTATGAAGTGCTG
GGTGAGACCACTGCCAAGAAGTGCTTGCTACCCCTACCTTCAACGGCAGGGGAATCTCCC
TCTCCTTTTATGGGCGTAGCTGAAGAAAGGATTATATAAATGAAGTTCAATCCTTCTCATC
AACCCAGCCACACCTCCAGCAATTGAACTTGAAAAAAGAACTGGTTTGAAAAATTA
CCGCAAACTATATTGTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAACACTTCTATATTTGAGAT
GAGAGAAGAGAGTGCTAGGCAAGTTTCTGGCTGAACACGCCAGCCCAATACTTAAAGAGA
GCAACTCCTGACTCCGATAGAGACTGGATGGACCCACAAGGGTGACAGCCAGGCGGACC
>EP11143 (+) Hs IL-2 receptor P2; range -499 to 100.

TGGGAATTATTTATGAATTCTCAGGATCCTTCAGTTCGCCGCATCCTTCTCCATTATTT
GAATATTGGAGGCTGCCTGACCAGAATCTTGTCAGGACTTTGCTCCTTCATCCAGGTGG

TCCCGGCTGACTCCTGAGGACGTTACAGCCCTGAGGGGAGGACTCAGCTTATGAAGTGCT
GGGTGAGACCACTGCCAAGAAGTGCTTGCTCACCCTACCTTCAACGGCAGGGGAATCTCC
CTCTCCTTTTATGGGCGTAGCTGAAGAAAGGATTCAATAATGAAGTTCAATCCTTCTCAT
CAACCCAGCCACACCTCCAGCAATTGAACTTGAAAAAAAACCTGGTTTGAAAAATT
ACCGCAAATATATTGTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTTCTATATTTGAGA
TGAGAGAAGAGAGTGCTAGGCAGTTTCTGGCTGAACACGCCAGCCCAATACTTAAAGAG
AGCAACTCCTGACTCCGATAGAGACTGGATGGACCCACAAGGGTGACAGCCAGGCGGAC
CGATCTTCCCATCCACATCTCCGGCGCGATGCCAAAAAGAGGCTGACGGCAACTGGGC
>EP48004 (+) Hs GM-CSF rec. a'; range -499 to 100.

NN
NN
GATGTGTGAGTGTGCAGGTCTGTGTGTGCAGATGTGTGTGCAGACATGTATGTGTGTGCA
GGTGTGTGTGCAGGTGTGTGTGCAACATGCACACGCGTGCAAGCATGTGTGCAGGAGTG
TGTGTGCACGTGTGTGCGGGCGTGTGGGAATGTGTGCGTGTGCAGGTCTGTGTGTGCAGA
TGTGTGTGCAGACATACATGTGTGTGCAGGTGTGTGTGTGTAGATGTGTGTGGGACTCAC
ACTTGAGCTGTTCCACGGGCCAGTCTTTGGAGACGAGGTGAGGAGCCAATGAACTCACGG
AGCAATTACAGGTTTCCCAATCCTATGAAATGAGGAAGCAGGGGAGGGGAGGGGAGGGAG
TGTATGATGACACAGAGGAACCTCTGAAGGGAGCTACTCAGAAGCGGGAGTCTCCGAGAGA
AGAAAAGCGGTTGGAAGGAGAGAAAGCGTACCCCGTGGGGGTAAGCTAAGTTCTTTCCTT
>EP15041 (+) Hs transferrin rec.; range -499 to 100.

AAAATTTGCATTTTGCTTTTCTTTCTTTTGTATTTCTGAGGCTGCAAAATACATCTT
CACAAGAGTGGCTTTAATAGTTACCTAACATTCCATCTGCACGTACATTTCAAGGCACT
GCCGCACTGCAATATCCAACATTTAAGCGTCAACGCCAACAGATTGGACCTAGCACTGCA
GGGACTGGAGGTTGGTCAAGGTGAGGCGGAGGCTGCCAGGCTACCAGGTTGGAGGAAGGC
GCCGAGGCAGAGGCCAGTGCGCCATCGCGCGGCTCCTCGGGGCACCTGCTGCCTTGCGC
CCTTTTCCCTTGCCCTTCGCCCTCGCCCGCAGCGCCCTCCGCATAGGGCCCCGCCGCTGC
GCGCGCATCCCCGCCCCCGGGCGATCTGTGAGACACCTCGCGAGCGTACGTGCCTCAG
GAAGTGACGCACAGCCCCCTGGGGGCGGGGGCGGGGCCAGGCTATAAACCGCCGGTTA
GGGGCCGCCATCCCCCTCAGAGCGTCGGGATATCGGGTGGCGGCTCGGGACGGAGGACGCG
CTAGTGTGAGTGCGGGCTTCTAGAACTACACCGACCTCGTGTCTCCTTCATCTCGCG
>EP15042 (+) Gg AchR a'-subunit; range -499 to 100.

GGCAGGGACGCTGCCGTCCTCGTGAGCACCCAGGAGATTCAAGGTGATGGATATCTC
TTGAACGTATTTATTACTGCTCCAGAGTTCACCCATGGAGCAGAGGGAACAGCATCTC
GATGCCCGCGCACAGCCAGTATGCGGTCAGAGTGCAGACAGAAGTGAAGTATCTGTTT
GCCCTGGAAGAAAGGAGATCCAAACTGTGCAAGCTGCTCCGGTCACAGGGTGTGTGTA
GCCTTGCTCCAGCTCGGGATGTCTGTTGTGTGGGCTTTTTTTAACCACAACCTCACAGT
GCCGCTCAGAAAAAACGATCTTTGGTGAACAGTAGGAGCCATCTGAGCGGTGCGACGCA
TTGTGCTCCCATTCACACGCTGCGGCGGCCCTCAGCTGTCTGCTGGAACAGGTGGTG
TAAGGCAATCCCTGGGCGAGCGTGTCCCCGCCCCCCCCGGGCGACCTTAAAGGCGCT
GCGTGTGCCCTGGCTCCTCCGTGCTGAGAGGAGCGGGCTCAGGTGATGGAGCTTGCCGT
GTGCTGCTCCTGATCTTCTCCGAGGTAANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
>EP57006 (+) Rn AchR alpha 3; range -499 to 100.

CCTCCCAGATGTCATCACCTGTGTCCACCATGATAAACTCACCCCAATATTGTTTCCAT
CCCAAGCCATCTAGTCCCTCTTAACCGTATGCTGTATGTATGTGTATGTGTATGTGTATG
TATGTATGTATGTATGTATGTATGTATGTATGTATGTATGTATGTATGTATGTATGTATG
AGTACCATGTGAAAATAGTTACTTTACTTTAAGAGCATCAACTTCCACGGTTCCCTTTT
AAGTTGCACTAAAGCTGACACGTGCCATGGTCCCCCTCCCCCTCCTCGGAGCTGCACCCG
CCAGAGATTTGACCTTTTTTCTGCCATGGTGACAATGCCTGATACTGTCTGGTCTAG
AGCTTAGAGGTTTCCAGACTCCAGGGCGGCTCTGGGCGAGGCATCGACGCAGGAGACCGT
GGTCCGACGCCCTCCACAGCGGGCGAAGCTCCCGCCTCGGCCTCCCCGCCCTCCCCGCC
CTGCGGCTGCTTGACGCGCTTGCTGCTGGGTTCTGTGCACTCGGGCGCGCAGGTGCGC
CGGAGCTCGGCTGCGCGAAGCCGGGAGGAACTCCGCGGTGCCAGCACTTGAGTAGCTGTG
>EP48005 (+) Hs VLDL rec.; range -499 to 100.

TAAAGACACATTTAGTTTTCGGCAAAACGGCATCTCAGCGTGCGATTGAGACCGGCATCC
CAAACCCCACTTTTGAGCAGCCCAAACGTTTGAGGCCCTCCGCTTCATCACTTTCTGAG
TGGATAGAGGAGGCCCCGAAGAAGATGCTACCTACCAGCCTCTCTCAGGGGCGCAGGAGAG
GGTGGTAGAGAGATGCTTGTGCCCCCTGGAAACTGCAAGTACCCCCAGGTGCACGCCCC
GTCACTGGGGAGGCGGTGGCAACAGCAACGATAGTTGCATCAGCGCTAACTGCTGCTGCT
GCTGCGTGTCTGCCCCGAGGCTGCCGGGAGGGTACAGTAATGACTGTAGGGAGCGCACAG
CCGCTGCGGCGGCAGGTTCCCTGGATCAGGAAATTAGGACAGGCACCCGGGATTGGAGGC
GAGGGCGGCGCGCAGCCAACAGCGGTGCGCCCGGGCCCCCGTGAGCCCCAGGCGAACG
CGCGGAGCAGCCGGGCCCTAGAGCGGTCCGGGTGGCGGCGGCGGCAGCCACGACCACGA
CCGCGGTCACTACGCACGCTCACACTCGACGCTCCCCGCGCGGGCACCCGGCTGCCCC
>EP57008 (+) Hs FBP; range -499 to 100.

CAACTTCTACCTATGTCCACCTGGCTGCCCATAAATTAACCCAATAGCTGTCACTTAAGC

CTACTCAGTATGTGCCAGGCTTTTCCCTATACAATTGTGAACAATTTTCTAGTGAGCAAA
CTGAAGCTCAGTAAGGTCCAGTGACTTTTCCCAAGGTTGTGCAAGAGATGGAGCTCTCAT
TGGGTCCCATTGGCCTGACCTAAAGCCTGGGTCTTTTCCACCAGACCTAATCTCCATC
GAGCTGGCCTTATCCTAAGAACCCTTGGGGTATCTATAAAATCCAGATGCCCCCTGGTG
ATGAGCAATTCTAGATTTTGTGAAAGTTGAATGTGTGGATGCTGGAATGAGTAAATT
AACAAGTAAGGAGATGAATGCAAGCAGGAATGACTAAATGGACAGACTCAGGGAGCCTTG
AAGAGGGTGGGGTCTGGAAGGGAAGGAAGAGAGGAAGGAGAATAGCTAAGTAGGGAGATT
TCACTCAGTGCTTACCAGAGCGGTTGTCTACCCTGTACCGAAGACAGAGGCTGTGGGGA
CAGCCTAGGGGCTGGATCTATTGCCTACTTAGAGAGAGGCCAACTCAGACACAGCCGTG
>EP58023 (+) Mm MOR; range -499 to 100.

CGGGGACATTTATTTCCAGTATTTATAGTTAAACTATGGGTATGCGCATGGCATGCATA
TGCATACACAGTGTTGAGACGAAACCACACTACTGCTGAATTTACGATTGTATTCTTCA
GAAGCACTTGTGAACCTTAGACATGAGATCTAACATTTTTTAAATGCATTCTTGCTCTCA
AGGATCTTGCTTAAGGCCATTTACACTCAAAAGAGCTGTGGAGTTTCTTTGGATTCTC
TATAGTGGGAAGAAAAACATTTCTGCTTGATTAGTAACCTGCTCCCCAGAAGCTCGGG
AGAGTGGAGGCAGTGCGAAAGCTTAGGATAAATCTTCTAAGCAGGTCCAGGAGAGTAGA
CCTGGCATGGGTAGTGGGTCTCTTTACAGGTTATCACCCCTCCTCCCTCACATCTCT
AATGTGTTCTTATGCTTCTTCTTCACTAGGAAAAAATCAGATGCAAAATAGACCTTCTAA
CCTAAGAGAAATTGAAGGAGTGGGGGCACATGAAACAGGCTTCTTTCACAAAAATTTTCT
CTTTTAGAAAAAGACAATTGTTTCTTTGAACAGGTTTGTGGGGTTGATTTTTTGAGGAAC
>EP11141 (+) Hs estrogen receptor; range -499 to 100.

CTGTGGCTGGCTGCGTATGCAACCGCACACCCATTCTATCTGCCCTATCTCGGTTACAG
TGAGTCTCTCCCAGGGTCATCTATGTACACACTACGTATTTCTAGCCAACGAGGAGGG
GGAATCAAACAGAAAGAGAGACAAACAGAGATATATCGGAGTCTGGCACGGGGCACATAA
GGCAGCACATTAGAGAAAGCCGGCCCTGGATCCGTCTTTCGCGTTTATTTTAAGCCAG
TCTTCCCTGGGCCACCTTTAGCAGATCCTCGTGCGCCCCGCCCCCTGGCCGTGAAATC
AGCCTCTATCCAGCAGCGACGACAAGTAAAGTAAAGTTCAGGGAAGCTGCTCTTTGGGAT
CGCTCCAAATCGAGTTGTGCCTGGAGTGATGTTTAAGCCAATGTCAGGGCAAGGCAACAG
TCCCTGGCGTCTCTCCAGCACCTTTGTAATGCATATGAGCTCGGGAGACCAGTACTTAAA
GTTGGAGGCCCGGGAGCCAGGAGCTGGCGGAGGGGCTTCGTCTGGGACTGCACTTGCT
CCCGTCCGGTCCGCCGCTTACCCGACCCGACGGCTCCCGGGGACAGGCGGGGCCAGA
>EP25037 (+) Gg progesterone rec.; range -499 to 100.

AGGAGCACAGAATGCTTCTTATTATTTTCTCCCGTATTTTCTTCCAAACCCCT
TTTACTTGCTCTGCTGTAAGTATTTTTCAGAGGTCCATAATGTGATGTAAGTGTTTTAT
AGTGTCTTGTTTCTTTGCTACTGGAATGGAAGATGTATTATGCTAACAGGGCGTAC
AGGAACCTTAAACCTGAAAAACACAGCAACGTCTGAAAGAGAGGGTGAAGAACCAGGAAG
GAGAGGACATATCTTCTCCCGCGCTCCGTAACAGCGATTTGCCAGCCTGAGTGACAGC
CAGTATTGCACTCTCGACCAGGACGGACACCTGCAAGAGCCGGGAGACGGGGTGAGATG
AGGCTGCGAAGGCAGGAAGCGGCCGGGCGCTAAGAGCGGACCCGAGAGGGAACGGGAGC
GGTGGGAGGGTCCGAGCAGGCGGAGCGAAGGAGGGGCCAGGCCGTGCCGGGAGCTGCCGG
AGGGAGTCGCCGTGCCGAGAGCCGAGCGCCGAAGGGGCGAGAAGGCGGCTGCCTGCCG
GGGGCAGCGGGGAAGCGGGAGGGGCGAACCAGGGCGCCTCTCATAGTACGGGCGGCGGC
>EP17084 (+) Hs IgE rec. FC_e'R; range -499 to 100.

CTTCTGTCTTTTTTTTCCCTTCTCTGCTCTCTCTCTCTTCCCTTTTTTCTTGCTGG
GACTCAAACCTGGGACATTTGACCTGGGAGCCTATTTGCTCAATCATCAAGAGACATAAT
CTCATGGTGGGTGTCTGCTGGTAAGTGCCGGGTGGCAGGATCCCAACTCCAGGCCGTCC
TTCTAACCCAAGAGGCCCTGCCTCTGCCTAGAGCCTTCCGTGGTCCCCAGGGCCCTCTG
TGATCGGCCATAGTGGTATGATTAGTGTCAGTAACAGTGTTTACATCTTACAGCTAC
CACTCACCTCTTACGCCCTGTGGGAACCTGCTGCTTAAACATCTAGTTCTCACCCAAT
TCTCTTACCTGAGAAATGGAGATAATAAACACGGAATTCACCCGGGTGTGGGGAGCAC
CAGGAGAGGCCATGCGTGTATGTTATCCGGGTGGCAAGCCCATATTTAGGTCTATGAAA
ATAGAAGCTGTAGTGCTCTACTTTTCAAGAAAGTGTCTCTCTTCTGCTTAAACCTC
TGTCTCTGACGGTCCCTGCCAATCGCTCTGGTCGACCCCAACACACTAGGAGGACAGACA
>EP11144 (-) Mm c-fos; range -499 to 100.

GGGTCTCATCCCTTGACCTGGGAACCGGGTCCACATTGAATCAGGTGCGAATGTTGCT
CGCCTTCTCTGCTTTCCCGCTCCCTCCCCGGCCGCGGCCCGGTTCCCCCCTGCG
CTGCACCCTCAGAGTTGGCTGCAGCCGGCGAGCTGTTCCCGTCAATCCCTCCCTCTTTA
CACAGGATGTCCATATTAGGACATCTGCGTCAGCAGGTTTCCACGGCCGGTCCCTGTTGT
TCTGGGGGGGGGACCATCTCCGAAATCCTACACGCGGAAGGTCTAGGAGACCCCTAAGA
TCCCAATGTGAACACTCATAGGTGAAAGATGTATGCCAAGACGGGGGTGAAAGCCTGG
GGCGTAGAGTTGACGACAGAGCGCCGAGAGGGCCTTGGGGCGCGCTTCCCCCCTTC
CAGTTCGCCCCAGTGACGTAGGAAGTCCATCCATTACAGCGCTTCTATAAAGGCGCCAG
CTGAGGCGCCTACTACTCAACCGCGACTGCAGCGAGCAACTGAGAAGACTGGATAGAGC
CGGCGGTTCCGCAACGAGCAGTGACCGCGCTCCACCCAGCTCTGCTCTGCAGCTCCCA
>EP11145 (+) Hs FOS; range -499 to 100.

CATCCCCCCCCGACCTCGGGAACAAGGGTCCGCATTGAACACAGGTGCGAATGTTCTCTCTC
ATTCTGCGCCGTTCCCGCCTCCCTCCCCAGCCGCGGCCCGCCTCCCCCGCACTGC
ACCCTCGGTGTTGGCTGCAGCCCGCAGCAGTTCCCGTCAATCCCTCCCCCTTACACAG
GATGTCCATATTAGGACATCTGCGTCAGCAGGTTTCCACGGCCTTTCCCTGTAGCCCTGG
GGGGAGCCATCCCCGAAACCCCTCATCTTGGGGGGGCCACGAGACCTCTGAGACAGGAAC
TGCGAAATGCTCACGAGATTAGGACACGCGCAAGGCGGGGGCAGGGAGCTGCGAGCGCT
GGGGACGCGAGCCGGGCGGCCGAGAAGCGCCAGGCCGCGCGCCACCCCTCTGGCGCCA
CCGTGGTTGAGCCCGTGACGTTTACACTCATTATAAAACGCTTGTTATAAAGCAGTGG
CTGCGGCGCCTCGTACTCCAACCGCATCTGACGCGAGCATCTGAGAAGCCAAGACTGAGC
CGGCGGCCGCGCGCAGCGAACGAGCAGTGACCGTGCTCTACCCAGCTCTGCTCCACAG
>EP29021 (+) Mm c-mos testis P1; range -499 to 100.

CTCACACTCATGGGGTGGCTTAACCTTGCTTGGAAAGGGATATTGGGAGGTCACTGTGTT
GTTATGTTACAGAGTCTTAACCTTGCTGTTTAAATCAAATACAGTGTCAGAATGCTCCCTT
CTGATGAACGTAAAAGGTATGTGATCTGACTTCTATAAGTGATTGATTGTTGGATCAAAGA
CATTAAAGTTACAGATGTTAATCTTACAAAGGTTGCATCTAATAACCTGGCAAGTAGT
TCAACAAATGTCTGCTGTTTGTATTGCAACTCTTGACGCAATAGCTGCTGGGAGTGATT
TAATGCAGCTGGAGACTAGCACTAACAATCATTATAGCCTGAAAAGTGTCACCAAGTTC
ACTGTACTTTTTTTTCTCTTCACTCGAAGGACTGATTAATGATCATCAGAATGTACTTG
ATTTTTTTTTTCTTCCATTGTATTGTGATTGAAGAATTAGTTGGAAGGTGACGTGAACCTT
TTGGGCAGGCCAGTACTGTTTAAACGGGGGAAGAAGTTGCTAAGGATTCACCTTAGCTGTG
AGCAATCGTTTCATCTGAGACTGCCAGGCTTCATCTGCACCCCCAACCCACCTGACTTA
>EP29022 (+) Mm c-mos ovary P2; range -499 to 100.

TGCATCTAATAACCTGGCAAGTAGTTCAACAAATGTCTGCTGTTTGTATTGCAACTCTT
GCAGCCAATAGCTGCTGGGAGTGATTTAATGCAGCTGGAGACTAGCACTAACAATCATT
TAGCCTGAAAAGTGTCACCAAGTTCAGTGTACTTTTTTTTTTCTCTTCACTCGAAGGACT
GATTAATGATCATCAGAATGTACTTGATTTTTTTTTTCTTCCATTGTATTGTGATTGAAG
AATTAGTTGGAAGGTGACGTGAACCTTTGGGCAGGCCAGTACTGTTTAAACGGGGGAAGAA
GTTGCTAAGGATTCACCTTAGCTGTGAGCAATCGTTTCATCTGAGACTGCCAGGCTTCAT
CTGCACCCCCAACCCACCTGACTTATTTTTTAAAAAAGAAACACCTTGTGGAGTAGTGA
TAGCACAGATGTGGCTGGTTTTGAGAATCAAGGAAGAAGGGAAAGGAAGTGGGATGAAGG
CAGCAATCTTCAGCCATGCTCCAAACTTCCCTGGCTGTTCTTCTACTCATTCTCCCTAGT
GTCTCATGTGACTGTCCCCTGAGGGTGTAATGCCTTCGCCTCTAAGCCTGTGTCGCTA
>EP15047 (+) Mm c-myb; range -499 to 100.

GAAAGTCGGGGCGCAGTTGAAACCCCTGAAGGCAGAAGTGTCACCCAACCCCATCGAGGT
GCCCTTGAATGGAAGCGCTGCTGATTGCGGCTCGGGAGCCCCGAGCCTACGAGAGAGGAG
CGACCGCGTAGCCCCGAAAGCGGTAACAGCGGGACCCGGTGAGCCGCGCCACCCGGC
CACGGAGCGGGGTTTGCAGGAAAAGGCGCCACCGCGGCCCGGCCGCCCTCCCCAGC
CCGGGCTCCCCGCCCGCCCGCTCCCGGCCGCGCTGCGCGCCAGGAGCAGCTCCGCGGC
GCGAGAGGCGAATGGGAGCGCGGCCAGGCGGGCTGCAGCTCGGGCGACCGCGGAGGCGG
CGGGCAGGGCGCGTGCGCACTGCAGGGGCGCCAGATTTGGCGGGAGGGGGAGTGTCAAA
CCTCTTTGTTTGATGGCATCTGTTTACAGAGTTACACTTTAATATCAACCTGTTTCTCTCC
TCCTCCTTCTCTCCTTCTCTCCTCCTCCTCGGTGACCTCCTTCTCTCCCCCTTCTCC
GGAGAAACTTCGCCCGGGCGGTGCGGAGCGCCGCTGCGCAGCCGGGGGAGGACGCGAGGCA
>EP15048 (+) Gg c-myc; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNATGATTACTTCCGACCTCTCCTTGTAAGAGAAAAAAAC
CAACCGCTGCTAAGGCATCGCTCTCCCCGGCCCCCTCCTCTCCTCCTCCTCCTCCCCGCC
CGCCACGCTCCGGCTCGCAGTACTCGGGGGGGGGCACGGAGCCCCCTCGGCCGCCCTCG
CGGCGCGCCCTCCCCGCTACGCGAGCCCGCGCGGAGCCGGGGGCGAGCGGGAGGGAGATG
AAGCGGCGACGCGCACCGCGAGAGCGCGCACTCGCGGGGCCCCGCCGTGCCGCTCGTGCT
CCCCCCCCCGCTGCATCTCCCGCCCGCCCTCGCGGCGCTTTAAGACAGCAAAGCAAC
TTAACTTCTATTGTACCGACGGAGCGCGCGCGCGCCTTGACCGTACAATCTGCCGC
ACGCCGGGAAGGCGAGCCCTCTCGCTGTATTTTTTTTCTCATCGTGGTGGGAGGAAGCG
>EP14066 (-) Mm c-myc P1; range -499 to 100.

AGATAACTCATTGTTCTGCTTCCCCCTTCTAAATTCTGTTTTCCCCAGCCTTAGAGA
GACGCTTGCCGCCCGGGACGTGCGTGACGCGGTCCAGGTACATGGCGTATTGTGTGGA
GCGAGGCAGCTGTTCCACCTGCGGTGACTGATATACGAGGGCAAGAACACAGTTACGCC
GAGCGCTGCGCCGAACAACCGTACAGAAAGGGAAAGGACTAGCGCGCGAGCAAGAGAAA
ATGGTTCGGGCGCGCAGTTAATTCATGCTGCGCTATTACTGTTTACACCCCGAGCCGGAG
TACTGGGCTGCGGGGCTGAGGCTCTCTCCTCTTTCCCCGGCTCCCCACTAGCCCCCT
CCCGAGTTCCCAAAGCAGAGGGCGGGGAAGCGAGAGGAGAAAAAAAATAGAGAGAGGT
GGGGAAGGGAGAAAGAGAGATTCTCTGGCTAATCCCCGCCACCCGCCCTTTATATTCCG
GGGTCTGCGCGGCCGAGGACCCCTGGGCTGCGCTGCTCTCAGCTGCCGGGTCCGACTCG
CCTCACTCAGTCCCCCTCTGCTCTCTGAAGGGCAGGGCTTCGCCGACGCTTGCCGGGAA

>EP16061 (-) Rn c-myc P1; range -499 to 100.

CTCCTACATAACTCTTTTTTTTTTTTCGTCCTTCCCTTTTAAATTCTGTTTCCCCGAC
CTTAGAGAGACGACTGGCCGCCCCGAGACGTGCGTGACGCGGCTCAGGGTACACGGCGTAT
TGTGTGGAGCGAGGCGAGCTGTTCCACCTGCGGTGACTAATACACGCAGGACAAGAACACA
GTTTCAGCCGAGCGCTGCGCCCAACAACTGTACAGAAAGGGAAAGGACCGACGCGGAGC
AGGAGAAAATGGTGGGCGCGCAGTTAATTCATGCTGCGCTATTACTGTTTACACCCCGA
GTCGGAGTACTGGGCTGCGGGACTGAGGCTCCTCCTCTTCCCCGGCTCCCCACTAGTGC
CCCTCCCGAGTTCCCAAAGCAGAGGGCGGGGAGCGAGAGGAGGAAAAAATAGAGGTCG
GGAGGGGAGGGAGAAAGAGATTCTCTGGCTAATCCCCGCCACCCGCCCTTTATAATCCG
GGGTCTGCACGGCTAAGGACCCCCGGGCTGCGCTGCTCTCCGCTGCCGCCTCCGCCGCG
CCCACTCCGCTCGCCTCCTGCCTCCAAAAGGGCAGGGCTTCGCCGAGGCTTGCGGGGAAA

>EP11146 (+) Hs c-myc P1; range -499 to 100.

CGCGCCCATTAATACCTTCTTTCTCCACTCTCCCTGGGACTCTTGATCAAAGCGCGGC
CCTTTCCCCAGCCTTAGCGAGGCGCCCTGCAGCCTGGTACGCGCGTGGCGTGGCGGTGGG
CGCGCAGTGCGTTCTCGGTGTGGAGGGCAGCTGTTCCGCTGCGATGATTATACTCACA
GGACAAGGATGCGGTTTGTCAAACAGTACTGCTACGGAGGAGCAGCAGAGAAAGGGAGAG
GGTTTGAGAGGGAGCAAAAGAAAAATGGTAGCGCGCGTAGTTAATTCATGCGGCTCTCT
ACTCTGTTTACATCCTAGAGCTAGAGTGCTCGGCTGCCCGGCTGAGTCTCCTCCCCACCT
TCCCCACCTCCCCACCTCCCCATAAGCGCCCTCCCGGGTTCCCAAAGCAGAGGGCGT
GGGGGAAAAGAAAAAGATCCTCTCTCGCTAATCTCGCCACCGGCCCTTTATAATGCG
AGGGTCTGGACGGCTGAGGACCCCCGAGCTGTGCTGCTCGCGGCCGCCACCGCGGGGCC
CGGCCGTCCCTGGCTCCCCTCCTGCCTCGAGAAGGGCAGGGCTTCTCAGAGGCTTGCGGG

>EP14067 (-) Mm c-myc P2+; range -499 to 100.

GAACACAGTTCAGCCGAGCGCTGCGCCCAACAACCGTACAGAAAGGGAAAGGACTAGCG
CGCGAGCAAGAGAAAATGGTGGGCGCGCAGTTAATTCATGCTGCGCTATTACTGTTTAC
ACCCCGGAGCCGGAGTACTGGGCTGCGGGGCTGAGGCTCCTCCTCTTTCCCCGGCTC
CCCACTAGCCCCCTCCCGAGTTCCCAAAGCAGAGGGCGGGGAAGCGAGAGGAGGAAAAA
AAAATAGAGAGAGGTGGGGAAGGGAGAAAGAGAGATTCTCTGGCTAATCCCCGCCACCC
GCCCTTTATATTCCGGGGGTCTGCGCGGCCGAGGACCCCTGGGCTGCGCTGCTCTCAGCT
GCCGGGTCCGACTCGCCTCACTCAGCTCCCCTCCTGCCTCCTGAAGGGCAGGGCTTCGCC
GACGCTTGGCGGGAAAAAGAGGGAGGGGAGGGATCCTGAGTCGCAGTATAAAGAAGCT
TTTCGGGCGTTTTTTCTGACTCGCTGTAGTAATTCAGCGAGAGACAGAGGGAGTGAGC
GGACGGTTGGAAGAGCCGTGTGTGCAGAGCCGCGCTCCGGGGCGACCTAAGAAGGCAGCT

>EP16062 (-) Rn c-myc P2+; range -499 to 100.

CAGGACAAGAACACAGTTCAGCCGAGCGCTGCGCCGAACAACCTGTACAGAAAGGGAAAG
GACCGACGCGCAGCAGGAGAAAAATGGTCGGGCGCGCAGTTAATTCATGCTGCGCTATTA
CTGTTTACACCCCGAGTCGGAGTACTGGGCTGCGGGACTGAGGCTCCTCCTTTTCCCCG
GCTCCCCACTAGTGCCCTCCCGAGTTCCCAAAGCAGAGGGCGGGGAGCGAGAGGAGGA
AAAAAATAGAGGTGGGAGGGGAGGGAGAAAGAGATTCTCTGGCTAATCCCCGCCACCC
GCCCTTTATAATCCGGGGGTCTGCACGGCTAAGGACCCCGGGCTGCGCTGCTCTCCGCT
GCCGCTCCGCCGCGCCCACTCCGCTCGCCTCCTGCCTCCAAAAGGGCAGGGCTTCGCCG
AGGCTTGGCGGGAAAAAGAGCGAGGGGAGGGATCCGGAGTCGCAGTATAAAGAAGCTT
TTCGGGCGTTTTTTTTCTGACTCGCTGTAGTAATTCAGCGAGAGACAGAGGGAGTGAGC
GGGCGGGTTGGAAGAGCCAGTGTGCAGAGCCCCACTCCGGGCTTCTAGGAAGGCAGCT

>EP11148 (+) Hs c-myc P2+; range -499 to 100.

CGATGATTTATACTCACAGGACAAGGATGCGGTTTGTCAAACAGTACTGCTACGGAGGAG
CAGCAGAGAAAGGGAGAGGGTTTGAGAGGGAGCAAAAGAAAATGGTAGGCGCGCGTAGTT
AATTCATGCGGCTCTTACTCTGTTTACATCCTAGAGCTAGAGTGCTCGGCTGCCCGGC
TGAGTCTCCTCCCCACCTTCCCCACCTCCCCACCTCCCCATAAGCGCCCTCCCGGT
TCCCAAAGCAGAGGGCGTGGGGGAAAAAGAAAAAGATCCTCTCTGCTAATCTCCGCCCA
CCGGCCCTTTATAATGCGAGGGTCTGGACGGCTGAGGACCCCCGAGCTGTGCTGCTCGG
GCCGCCACCGCCGGGCCCGGCCGTCCCTGGCTCCCCTCCTGCCTCGAGAAGGGCAGGGC
TTCTCAGAGGCTTGGCGGGAAAAAGAACGGAGGGAGGGATCGCGCTGAGTATAAAGCCG
GTTTTCGGGGCTTATCTAACTCGCTGTAGTAATTCAGCGAGAGGACAGAGGGAGCGAGC
GGGCGGCCGGCTAGGGTGAAGAGCCGGGCGAGCAGAGCTGCGCTGCGGGCGTCTGGGA

>EP25008 (+) Hs N-myc E1P1+; range -499 to 100.

ACACAGGAGCAACCTCCCTGCAAGGCCTTGCTCAACGTTGGCCTCGCGCTCAGCTGCACA
ACACGCAGTCAAAGCGGGGCTGGGTTAGAAGCATCGGTCTCCCTCCCCAACACACACC
CCCGGAGCCCTCCGTAATTTTTTTTTCTTTAATGACAAGCAATTGCCAGGCTCGCAGGG
TGGGTGCTGCATTGCACCGCTCCGCGCGCAGCTGGTTCTCAGAGTGACGCCGGTGCAAGC
CCGGGGGTCCAAAAGGGCGGGAGGAGCACACCTGGGCTTCCAGCTTTGCAGCCTTCTC
TCTGCAAAGAAAAGCAAGTGGCTTTTGGCGCGAAAGCCTTGGCGCCTCCCCTGATTTTA
TGGAATCAGGAGGGCGGGGTAAAGCCGCTTTCCTCTCCTTTCTCCCTCCCCCTTGCTG
CGCCACAGCCCCCTTCTCTCCCCGCCCCCGGGTGTGTGAGATTTTTCAGTTAATAATAT
CCCCGAGCTTCAAAGCGCAGGCTGTGACAGTCATCTGTCTGGACGCGCTGGGTGGATGC

GGGGGGCTCCTGGGAACTGTGTTGGAGCCGAGCAAGCGCTAGCCAGGCGCAAGCGCGCAC
>EP25009 (-) Hs N-myc E1P2; range -499 to 100.

GCGCTCAGCTGCACAACACGCAGTCAAAGCGGGGCTGGGTTAGAAGCATCGGTCTCCCC
TCCCCAACACACACCCCCGGAGCCCTCCGTAATTTTTTTTTTCTTTTAATGACAAGCAATT
GCCAGGCTCGCAGGGTGGGTGCTGCATTGCACCGCTCCGCGCGCAGCTGGTTCTCAGAGT
GCAGCCGGTGCAAGCCCGGGGTCCAAAAGGGCGGGAGGAGCACACCCTGGGCTTCCCAG
CTTTGCAGCCTTCTCTCTGCAAAGAAAAGCAAGTGGCTTTTGGCGGAAAGCCTTGGCGC
CTCCCCTGATTTTTATGGAATCAGGAGGGCGGGTAAGCCGCTTTCCTCTCCTTTCTC
CCTCCCCCTGTCTGCGCCACAGCCCCCTCTCTCCCCGCCCCCGGGTGTGTGAGATT
TTCAGTTAATAATATCCCCGAGCTTCAAAGCGCAGGCTGTGACAGTCATCTGTCTGGAC
GCGCTGGGTGGATGCGGGGGGCTCCTGGGAACTGTGTTGGAGCCGAGCAAGCGCTAGCCA
GGCGCAAGCGCGCACAGACTGTAGCCATCCGAGGACACCCCCGCCCCCGGCCACCCG

>EP25010 (+) Hs N-myc E2P3; range -499 to 100.

TCCGCGCGCAGCTGGTTCTCAGAGTGCAGCCGGTGCAAGCCCGGGGTCCAAAAGGGCGG
GAGGAGCACACCCTGGGCTTCCCAGCTTTGAGCCTTCTCTGCAAAGAAAAGCAAGTG
GCTTTTGGCGGAAAGCCTTGGCGCCTCCCCTGATTTTTATGGAATCAGGAGGGCGGGG
TAAAGCCGCTTTCCTCTCCTTCTCCTCCCCCTGTCTGCGCCACAGCCCCCTTCTCTC
CCGCCCCCGGGTGTGTGAGATTTTTCAGTTAATAATATCCCCGAGCTTCAAAGCGCA
GGCTGTGACAGTCATCTGTCTGGACGCGCTGGGTGGATGCGGGGGGCTCCTGGGAACTGT
GTTGGAGCCGAGCAAGCGCTAGCCAGGCGCAAGCGCGCACAGACTGTAGCCATCCGAGGA
CACCCCCGCCCCCGGCCACCCGGAGACACCCGCGCAGAATCGCTCCGGATCCCCTG
CAGTCGGCGGGAGGTAAGGAGCAGGGCTTGCAAACCGCCCGCGCCAGGGAAGCGACGA
GCGCCGGGGCAAGGCAAGCCCTGGACGGGATTGCGACGTGCGCACCGGGCGCCCTAATAT
>EP27010 (+) Hs L-myc; range -499 to 100.

TCGATGCCATCAGGCTTGGGCCACTGAGCTCAAGAAACGGGCCGACGGGTGACCAGACG
GACGCCGGGACCAAGTTCAGGGCTGAGGGCCGCCAGGTGGCGCTTTCCTCCCC
CTACCCCTCGCGCGGCTCGGGCGCACCTGAACCCAGCGGGTGCGCCGGGAAAGTAGG
CGCGCAGGGTGGGGCGGGGAGTAGCCCTAATTCCCAGCTCGGAGTGGCAAGGAGCACG
GTTTAGCTCAGCCGGCTGGCACCGCAAGCGGCCGCGGGCCGATCAGCCCTCCTCCTG
TTTGCGCTCCCCAGCGTGCAATTTATTTGGGGGGTACCGGGGATTGAACGGAGCGGGCG
AGCGCTGCCAGGAGTGGGGCCGGCCCCACCTGTGACTGCCCCTAGTAGGCAGGGAGAG
GGCGGGGTTTGTCCATAGGGCCCCCCCCAGTCCCTGGGTCCCGGGCGCGGACGAGA
TATAAGGCAGTCAGGAACAATGCGCCTGCAGCTCGCGCTCCCGCGCGATCCCGAGAGC
GTCCGGGCGCGCTGCGCGAGCGAGGGAGGCGCGCGCGGGGGGGCGCGCTTGTGAG
>EP27006 (+) Hs Bcl-2 E1P1+; range -499 to 100.

GTTCCCCGGGAGCCCCACCCGTCGCGGACCCAGCGACCACCAAGTCCGCACGCGGCC
TGCCCGAGGCCGTAGCAGAAGGCCCGCGCACACCCACCGCGCCGCGGGCGCGGGGAGG
CCTGTGCCGCCCGCCACCCACTGGCCGGGCCCGCGGGCGCAGCGGAGCGGGCGGGTG
GCCGGCCCGACGCGCCCTCCCCGGCCGCGCCCCGCGCGCCATGTGCCCCGGCGGGAC
GCGCCACTCCCGGGCTGCCGCGCGCCTTAACCCGGGCCAGGGAGCGGGCGGAGGGG
GCGGTGCGGTGGCTCAGAGGAGGGCTCTTTCTTTCTTTTGAATGAACCGTGTGA
CGTTACGCACAGGAAACCGGTGCGGGCTGTGCAGAGAATGAAGTAAGAGGACAGGCACCAC
AGCCCCGCTCCCGCCCCCTTCTCCCGCGCCCCGCCCCCTCCGCGCCGCTGCCCGCCCCG
CGCCGCGCTCCCGCCCGCGCTCTCCGTGGCCCCGCGCGCTGCCCGCCCGCGCTGCC
AGCGAAGGTGCCGGGGCTCCGGGCCCTCCCTGCCGGCGCGGTGAGCGCTCGGAGCGGGC
>EP27007 (+) Hs Bcl-2 E2P2; range -499 to 100.

CATGCTGTACTTAAAAATACAAGTAAGTTCTCTGCACAGGAAATTGGTTAATGTAAC
TTCAATGGAAACCTTTGAGATTTTTTACTTAAAGTGCATTGAGTAAATTTAATTTCCAG
GCAGCTTAATACATTCTTTTACCGGTTACTTGTAGTGTGTATGCCCTGCTTTCACTC
AGTGTGTACAGGGAACCGACCTGATTTTTTACTTATTAGTTTGTGTTTTTCTTTAACCTT
TCAGCATCACAGAGGAAGTAGACTGATATTAACAATACTTACTAATAATAACGTGCCTCA
TGAAATAAAGATCCGAAAGGAATTGGAATAAAAAATTTCTGCATCTCATGCCAAGGGGA
AACACCAGAATCAAGTGTTCCGCGTGATTGAAGACACCCCTCGTCCAAGAATGCAAAGC
ACATCCAATAAAATAGCTGGATTATACTCCTCTTCTTTCTGTTGGGGCGGTGGGTGGG
AGCTGGGGCGAGAGGTGCCGTTGGCCCCGTTGCTTTTCTCTGGGAAGGATGGCGCACG
CTGGGAGAACAGGTACGATAACCGGGAGATAGTGATGAAGTACATCCATTATAAGCTGT
>EP11223 (+) Hs p53; range -499 to 100.

CTCTTACTTGCTACCCAGCACTGATATAGGCACTCAGGAATACAACAATGAATAAGATAG
TAGAAAAATTCTATATCCTCATAAGGCTTACGTTTCCATGTACTGAAAGCAATGAACAAA
TAAATCTTATCAGAGTGATAAGGGTTGTGAAGGAGATTAATAAGATGGTGTGATATAAA
GTATCTGGGAGAAAACGTTAGGGTGTGATATTACGAAAGCCTTCTAAAAAATGACATT
TTAACTGATGAGAAGAAAGGATCCAGCTGAGAGCAAACGCAAAAGCTTTCTTCTTCCAC
CCTTCATATTTGACACAATGCAGGATTCCTCCAAAATGATTTCCACCAATTCTGCCCTCA
CAGCTCTGGCTTGCAAGATTTTCCACCCAAAATGTTAGTATCTACGGCACCAAGTCCGC
GAGAATCCTGACTCTGCACCTCCTCCCCAACTCCATTTCTTTGCTTCTCCGGCAGGC

GGATTACTTGCCCTTACTTGTTCATGGCGACTGTCCAGCTTTGTGCCAGGAGCCTCGCAGG
GGTTGATGGGATTGGGGTTTTCCCTCCCATGTGCTCAAGACTGGCGCTAAAAGTTTTGA
>EP15049 (+) Rn c-Ha-ras; range -499 to 100.

TGGGCCGACGCTGCCCCAGGATGGAGCCTTCGCTCCACCTCGGCCTACGGCAGCTAGGGG
TTCCGGCGAACTCTGTCTTCTCTGGTATTCCGCGTCCGCGGTGCAGACTGTCTCGACT
CCAGGACCCGGTCGGAATGACCTTTCCGCTCTGGGCCTTTGGGCCTTTGGTGAGGCTTC
AGGGTGGAGGCTCTTTGGCAGGCTCTCTCAACGCGACTCGAGCGTACACCAGTTTCTCTC
CGGAGGAATCCCAGGCTCGTAACCACTGTCTGGGTCTCTCTTTCTGCACCTAAGAACTA
GGAATCACTGTTGACTGCAGACCCCAAGTTCGACACCGCCCTCCACCTAGGCTCCTCC
TAGCAGCGGCTTCTGACGGATGGGTTGCTCAGCCAATCATAACAGGTGGCGGTGGGGCGG
AGTTTCAGCAATCATCGGCGGCCTCGAGTTGACGGACGGGCGCGGGGCGGAGCGGGGCGG
GGCGAGCGCGGGGCCCGCCAAAGTCCCGCCGTCCGCGCCGGCGCCCGCAGCCCGAGCCG
CACCCGCGCGGACGGAGCCCATGCGCGGGCCAGTCGGCGCCCGTCCGCGCCCCCGCCC
>EP16063 (+) Hs c-Ha-ras P1; range -499 to 100.

CACACGGCTGCGCCCGCCCGGGAACCCACCGGGGCTGCAAGCGTCCTCGGGGTGGGT
TGCGGTGGGAGTAGGGGAGCTGGGGTGCCTGGTGGTAGGTGGGTGCGCGGCCGCTCCAC
CTGCGCGGAAGGGCAGGGCAACCGGACCCCGCGGCCACCCGGGGGCCCCAGCTCCG
AGCATCCCGCCTTGGTCCCGCGGATCCAGCCTTTCCCGAGCCCGTAGCCCCGGGACCT
CCGCGGTGGGCGGCGCGCGCTGCCGGCGAGGGAGGGCCTCTGGTGCACCGGCACCGCT
GAGTCGGGTTCTCTCGCCGGCCTGTTCCCGGGAGAGCCCGGGGCCCTGCTCGGAGATGCC
GCCCGGGGCCCCAGACACCGGCTCCCTGGCCTTCTCGAGCAACCCCGAGCTCGGCTCC
GGTCTCCAGCCAAGCCCAACCCCGAGAGGCGCGGCCCTACTGGCTCCGCTCCCGGTT
GCTCCCGGAAGCCCGCCGACCGCGGCTCCTGACAGACGGGCGCTCAGCCAACCGGGG
TGGGGCGGGGCCGATGGCGCGCAGCCAATGGTAGGCCGCGCTGGCAGACGGACGGGCG
>EP16064 (+) Hs c-Ha-ras P2; range -499 to 100.

GGGAGAGTGGGGTGCGTGGTGGTAGGTGGGGTGCGCGGCCGCTCCACCTGCGCGGAAGGG
CAGCCGGGAACCGGACCCCGCGGCCACCCGGGGGCCCCAGCTCCGAGCATCCCGCCTT
GGTCCCGGCGGATCCAGCCTTTCCCGAGCCCGTAGCCCGGGACCTCCGCGGTGGGCGG
CGCCGCGCTGCCGGCGCAGGGAGGGCCTCTGGTGCACCGGCACCGCTGAGTCGGGTTCTC
TCGCCGGCCTGTTCCCGGGAGAGCCCGGGGCCCTGCTCGGAGATGCCGCCCGGGCCCC
AGACACCGGCTCCCTGGCCTTCTCGAGCAACCCCGAGCTCGGCTCCGGTCTCCAGCCAA
GCCCAACCCCGAGAGGCGCGGCCCTACTGGCTCCGCTCCCGGTTGCTCCCGGAAGCC
CCGCCCCGCGCGCTCCTGACAGACGGGCGCTCAGCCAACCGGGGTGGGGCGGGGCC
GATGGCGCGCAGCCAATGGTAGGCCGCGCCTGGCAGACGGACGGGCGCGGGGCGGGCGT
GCGCAGGCCCGCCGAGTCTCCGCCGCCGTGCCCTGCGCCCGCAACCCGAGCCGACCC
>EP11149 (+) Hs c-Ha-ras P3; range -499 to 100.

CTGCCGGCGCAGGGAGGGCCTCTGGTGCACCGGCACCGCTGAGTCGGGTTCTCTCGCCGG
CCTGTTCCCGGGAGAGCCCGGGGCCCTGCTCGGAGATGCCGCCCGGGGCCCCAGACACC
GGCTCCCTGGCCTTCTCGAGCAACCCCGAGCTCGGCTCCGGTCTCCAGCCAAGCCCAAC
CCCGAGAGGCGCGGCCCTACTGGCTCCGCTCCCGGTTGCTCCCGGAAGCCCGCCG
ACCGCGGCTCCTGACAGACGGGCGGCTCAGCCAACCGGGGTGGGGCGGGGCCCGATGGCG
CGCAGCCAATGGTAGGCCGCGCCTGGCAGACGGACGGGCGCGGGGCGGGGCGTGCGCAGG
CCCGCCCGAGTCTCCGCCGCCGTGCCCTGCGCCCGCAACCCGAGCCGACCCGCCGCGG
ACGGAGCCCATGCGCGGGGCGAACCGCGCGCCCCCGCCCCGCCCGCCCCGGCCTCGGC
CCCGGCCCTGGCCCCGGGGGCGAGTCGCGCCTGTGAACGGTGAGTGCGGGCAGGGATCGGC
CGGGCGCGCGCCCTCCTGCCCCCAGGCGGCAGCAATACGCGCGGCGCGGGCCGGGGG
>EP16065 (+) Mm c-Ki-ras; range -499 to 100.

GCGGCTCTCCATGTGGTATCCGGGCAGAGGCCAGCCTGGTCTACACAGAGAGACCCTGT
CTCAAAACAAAAAGAGGAGGTCCGGGTTGGGAGCTGCAGGCTTCGGACAGTCCGGCCAA
GGGACCGCAGAGCCAGCGGTGGGGTCCGCCCCGGCGGCGCCGCGCGGCCCGAGGAG
CAGCAGCGGGGCGGGCGGCCGCTGCGAACGAGCGGCGAGGCGGGGCTATCGGGAGCGCC
AGCCCCGGGTGCGGGTCCGCGTTGGCCGACGCCCTCTCGGCACCACTCTGCGCGCCCC
GCCCGGGCCCGTCTGGCCGCCGCTTCCCGCCCTCGCTCTCTGGGCTCCAGCGCTGCG
GCCGCTCCCTCCCTCCCTCCCTCCCTCCCTCCCGCGCGCGCGGCCGAGGCAGCGGGAGC
ACCGAGCGCATCGATCGGCTGCTCTGCGGCCGCCCGCCCGCTGCCGGGCCATCGCGC
ACTCCGGGCTCGATTGCGCAGGCGGCGGCCGCGGCGGTGAGGCGGCAGCGCTGTGGCGG
CGGCTGAGACGCGAGGGGAAGCGGCGGCGGCTCGGCCCGAGTCCCGCTCCCGCGCCAT
>EP30002 (-) Mm c-N-ras; range -499 to 100.

TAATAAATAGCCCCGTGGTTCAGTGCCCTGTTCAATACAGGCACTTGATCCTTGGTGTA
GCTTCTGTTCAACTTTGTATCACGGGAACGGATTGGCCTGATTTCTCGGCCTTCATCTTG
AATTGGCCCCAAACAGGGTCCCTGGCAAGTGGAGTGAAGCTTTTTGTCTAACAATGACA
AGGGTCAGCTCAGGGGTTGTGCGGGAGGGCGCTTTCATCTTCCCGTTGTCAATTTAGGGT
TTTGAATCTGGGTAAAGAGCGCTTTATCTTTGTAAACACAAAACATTTTGTCTTCTC
CGGTTTTATGTTAATGGCGAAAGAATGGAAGCGAATAAAGTTTTACTGATTTTGTAGACA
CTAGCACCTAGCGCTTTCATTATTGAAATGGGGGCGGGGCGGGGCTGGACTGGGTGCGGC

CGGCTGCAAGACTCTAGTCGTGCGGCCACGTGGCTGGGGCGGGGACTGCCGTGGCGCCTA
GTGATTACGTAGCGGGTGGGGCCCGAAGTGCCGCTCCCTGGCGGGGCTGTTTCATGGCGGT
TTCGGGGTCTCCAACAGCTCAGGTTGAAGTCCAAAAGCCTCCCGAGGCGGGCTGCGGAGT
>EP31001 (-) Cp c-N-ras; range -499 to 100.
TTTTTTTTGTAAGTAACCGCCTGTTTCTGTGCTGTTAAATACAGGCACCTGACCCTT
GGTGTAGCTTCTGTTCACTTTATATCACGGGAATGGATTGGTCTGATTCTTGGCCTTT
ATCTTGAATTGGCTATATACAGGGTCCATAGCCAATGGACAGAAGGCTGTTTTGAGATGA
CGAGGGTCAGCTCAGGGGATGTGGGGGAGGGCGCGTTTATCTTCCCCGTTGTTTGAGGTT
TTGAACTCTGGATAAAAGAGGCCATTTATCTTTGTAAACACGAAACATTTTTGCTTTCTC
CAATTTTATGTTACTGGCGAAAGAATGGAAGCGAATAAAGTTTTACTGATTTTTGAGACA
CTAGCACCTAGCGCTTTCATTATTGAAACGACCTGGGAGGGAGACGCCGGTCTGGGTGCG
GCCGCCCTCGTGACTAGGTCAATTGGCCACGTGGCCGGGGCGGGGACTCGGGCCGGGCGC
CGGCTGATTACGTAGCGGGCGGGGACAGGAAGTGCCGCTCCCTGGTGGGGGCTGTTTCATGG
CGGTTCCGGGGTCTCAACGTTTCTCAGGGTTGAGATTCTATATCCTTTGAAGCTGGGG
>EP30003 (+) Hs c-N-ras; range -499 to 100.
GTGTCCTGTAAAATACAGACACTTGACCCTTGGTGTAGCTTCTGTTCACTTTATATCAC
GGGAATGGATGGGTCTGATTTCTTGGCCCTCTTCTTGAATTGGCCATATACAGGGTCCCT
GGCCAGTGGACTGAAGGCTTTGTCTAAGATGACAAGGGTCAGCTCAGGGGATGTGGGGGA
GGGCGGTTTTATCTTCCCCCTGTGCTTTGAGGTTTTGATCTCTGGGTAAAGAGGCCGTT
TATCTTTGTAAACACGAAACATTTTTGCTTCTCCAGTTTTCTGTTAATGGCGAAAGAAT
GGAAGCGAATAAAGTTTTACTGATTTTTGAGACACTAGCACCTAGCGCTTTCATTATTGA
AACGTCCCGTGTGGGAGGGGCGGGTCTGGGTGCGGCCTGCCGCATGACTCGTGGTTCGGA
GGCCACGTGGCCGGGGCGGGGACTCAGGCGCCTGGGGCGCGACTGATTACGTAGCGGG
CGGGGCCGGAAGTGCCGCTCCTTGGTGGGGGCTGTTTCATGGCGGTTCCGGGGTCTCCAAC
ATTTTTCCCGGCTGTGGTCTAAATCTGTCCAAGCAGAGGCAGTGGAGCTTGAGGTAAG
>EP30025 (+) Mm c-abl 6.5 kb E1; range -499 to 100.
ATCCGTAGTTTTCCCTGTCTCTGAATCTCTGCGGTCTAGCTACTAGAGCAGTGAAGAC
TTCGGCTGACCAGAGTCCACCGTCTCCAGCAGGCGGGGCCAGTTCTCTGTAGCTATGGG
AGCTGGAGGCTTGGGCCTCTGCGAGCAGCTATGGGCGCCGGGACTACAAGTCCCAGCAT
TCCTCGTGGCACCACCGATCGCTGCTAACTGTGCGCTCTCGCGTCACTGGCTAACTGGA
TGGTGGTGAAGGTTATCACTGGTTATCGAAGACCAATGACAAAGAAGAAGGGGCGGGCGC
TTCCTCATCTCTACCTTGAGCTCAGAAAAGCTACCTTTAAAGGTCGTGCGGAGCCGGG
TTGTGCGCAGTGAAGTGGAAAGCCGAAAGGTGCGGCGCGCTGTGGGAGACCGGCGCCT
GTGGTCTATCGGACCTCGCTCGGGGAATTCCGGCGTCTGTGGGGCGGGATCGGGGGCGG
GGCCTGGCCTCGTTGTGGCGCGGCTCGTAATCCATTATGGCGGCCTCGGGGTCGGTGTCT
TCTCCCTGAGAGGCGTCGGAGCTGGAACCGGGTGCCGGGTCTGCGGCTGAGGACTCCTA
>EP26030 (+) Hs c-abl 7 kb E1P1; range -499 to 100.
GGCAATACAGAGGAGGCGGGTGCTTCTTACCACTCACCTTGCGCTCAGAGAAGCCACAT
TTAAAAGGTCGTGCCGGGCGGGCTTTTCGAGGCAGTGGGACCAGAGCCGGGAGGGGCGG
CGGTGTCCCGGAAAGCGGCTCTTGGGGCATCCGGGTCCCTCGAGGCGGGCTCCGGACG
TCGCCGTGGGCGGGGCGAGGCGGGGCTGGCCTCGTTGTGGAGCGGCTCGTAATCCAT
CATGGCGGCCGCGGGGTTTGTGTCTGTGCCTGAGCAGCGCTGGAGCCGAGCCGGTTCC
CGGGTCTGCGGCTGAGGAGCCCCCTCCGCTGTCCACGGCCCCCTACCGGCGGGGGCGGCT
GGGTCCCTCGGCGGAGCTCGGGAGATGTGACTGCCTGAGGGCGGTGGTGGTGTGAGCGTC
CGGGGCGGGGGAGGGGGTGTCTCGGGCAGAGACCCCGGGCTTGGGGCAGCTGAGGCGG
CCGGGCTCTCTACACGGGGCCCGCCTTCCGCTGTCTGGGCGCGAGAGTCTTCTGTC
CTTACAGCCCCGCCCGGCTTTGGGACACTGCGGGTGGTCTGTTTCCCCCAGCTTGGGAC
>EP26031 (-) Hs c-abl 7 kb E1P2; range -499 to 100.
GAGAAGCCACATTTAAAAGTCTGTGCCGGGCGGGCTTTTCGAGGCAGTGGGACCAGAGC
CGGGAGGGGCGCGGTGTCCCGGAAAGCGGCTCTTGGGGCATCCGGGTCCCTCGAGGC
GGGCTCCGGACGTGCGCGTGGGCGGGGCGAGGGCGGGGCTGGCCTCGTTGTGGAGCGG
CTCGTAATCCATCATGGCGGCCGCGGGGTTTGGTGTCTGTGCCTGAGCAGCGCTGGAGCC
GGAGCCGTTTCCCGGTCCTGCGGCTGAGGAGCCCTCCGCTGTCCACGGCCCCCTACCGG
CGGGGGGCGGCTGGGTCCCTCGGCGGAGCTCGGGAGATGTGACTGCCTGAGGGCGGTGGT
GGTGTGAGCGTCCGGGGCGGGGAGGGGGTGTCTCGGGCAGAGACCCCGGGCTTGGGG
CAGCTGAGGCGGCGGGGCTCTCTACACGGGGCCCGCCTTCCGCTGTCTGGGCGCGAG
AGTCTTCTGTCCTTACAGCCCCGCGGCTTTGGGACACTGCGGGTGGTCTGTTTCCC
CCAGCTTGGGACACCCGTTTCTGAGGCGTGGAAGAGCGTCGCCCGGAGTAAGCTGCC
>EP30026 (+) Mm c-abl1 5.3 kb E2; range -499 to 100.
TTAGTTAAAATCTTGTGGTAACCTCGAGCTAGCGTTTAGGAAAACAAAACTACCCGTG
AAATGGATTCAAACATTACCTGTGGCACCAAAACAGGGGAAATTCCTGTAAAAATGAGG
TCAGGAAGGACCGCATTCCAGCCACAATGAACACGCACCATAGAGACATTTCCCTAAG
CTTAAACTCACAACCTCAGGTCTAAATGGGTGGTTGGACCCGCGTCCGGTATTCCGTATT
CCTGTGGGTTCCAGCCCTGACTGTTTACATTCCTCAGATACCCACTTTAGGTTTAAATCAC
AGTCGCTCCCCGAGACAGTCTGTTAACTTGAGAGGAATTTGCATTTCCACCGACCTTC

CCGGACACGCGGAGGGGAGGGGCTACGCCAGCGCAGCTACGCAGCTGGGGAGGGCGTG
GAGCCTTCCCTTGGCCTGGAAGGGGTTAAGGGACGGCTGGGGCGGGCGCTGGGCCCTTT
GTTACCGGCTAGGCGGGAGGCGGGAGGCGGGACGCGGGCTGGGCGCGGGCCTGCTGGG
AGCGCGGCTGGCGGGGCTGGGGGCCGGGGTGGTGGGGCTTCGCCGTGGCCACGGGAC
>EP26032 (+) Hs c-abl 6 kb E2P3; range -499 to 100.

TCCTCCCCAGACACCCACTGCCTCAGCCTTAATCACAGGACGCGCTTGAGTAGAAATGA
GACCAGTTAGTATTGGTAAGTGCAGAGGAATATGCATTTTCACCAGCGTTCTCGGGTCAG
AGGGTTTGCCTGGCACCCTGACTGGGAACTCGCCAAAAGCGGTGCAGTTGGAGACGC
CCCAGGCCGCGGTGGAGTTGCGCGCGGCTTCTAAAGTGGAGTGGAGCAGGCCTGCACCCT
CCCCGCCGGGGCTGGGACGCGCTTCCAGCGGAGAAAGACCTCCGCGGGCCGCGCGCGG
CCTTCCCCCTGCGAGGATCGCCATTGGCCCGGGTGGCTTTGGAAGCGGCGGTGGCTTT
GGGCCGGGCTCGGCCTCGGGAACGCCAGGGGCCCTGGGTGCGGACGGGCGCGGCCAGGA
GGGGGTTAAGGCGCAGGCGGCGGGGGCGGGGGCGGGCCTGGCGGGCGCCCTCTCCGGG
CCCTTTGTTAACAGGCGCGTCCCGGCCAGGCGGAGACGCGGCCGCGGCCATGGGCGGGCG
CGGGCGCGCGGGGCGGCGGTGAGGGCGGCTGGCGGGGCCGGGGCGCCGGGGGGGCGCGC
>EP60011 (+) Hs Cyclin D1; range -499 to 100.

CGTGGGTGCCCTCGTGGCTTCTTGGAAATGCGCCATTCTGCCGGCTTGGATATGGGGT
GTCGCGCGCCCCAGTCACCCCTTCTCGTGGTCTCCCAAGGCTGCGTGTGGCCTGCCGCG
CTTCTAGTTGTCCCTACTGCAGAGCCACCTCCACCTACCCCTAAATCCCGGGGGAC
CCTCGAGGCGGACGGGGCCCCCTGCACCCTCTTCCCTGGCGGGGAGAAAGGCTGCAG
CGGGGCGATTTCATTTCTATGAAAACCGGACTACAGGGGCAACTCCGCCGAGGGCAGG
CGCGGCGCCTCAGGGATGGCTTTTGGGCTCTGCCCTCGTCTCCCGCGCTTGGCGCC
CGCGCCCCCTCCCCCTGCGCCCGCCCCCGCCCCCTCCCGCTCCATTCTCTGCCGGGCT
TTGATCTTTGCTTAACAACAGTAACGTACACGGACTACAGGGGAGTTTGTGAAGTTG
CAAAGTCTGGAGCCTCCAGAGGGCTGTGCGCGCAGTAGCAGCGAGCAGCAGAGTCCGCA
CGCTCCGGCGAGGGGAGAGAGCGCGAGGAGCGCGGGGACAGCAGAAAGCAGAGCCGAG
>EP48006 (+) Hs IRF-2; range -499 to 100.

CCCTGAGGATGGAGACTCGGGTGCCCGCTCTCTCCCTACCGCCGCGGGCCTGCGCCCC
CCGCCCCGGACCCGACTCGGACGTTCTAGCCGCACGTGCGGGCGCCCTGGGTGCGAGC
CGCGGACTCACGAGCCGCTGCTTGTGCTCCCGCCGCGCGACCTGGGGAAGCGAAAATG
AAATTGACTTTTCCGAGAAATGATGAAAGCGGCGTGCCCGCCAATGAGCTGCTGCGGCG
AACTTCCGCACTCCCGGCCGGGCGCTCGCGCCCTCCCTCCGCTCCACCTCCCGTTG
CACAAGCTTGAAACAAACACTGGGGAGGAAGGGCGGAGGAGGAGGCGGAGAGGGGAGG
CGAGGGAGGGGAGCGCGGCGGAGGAGGGCGGGGGTGGGGGGATTTCAGCCGCGGCTCT
TCGCAGTTTCTCTCTTGTGTTTGTCTTTCGATCTGGAAGTCTCAGGCAAGCGGGGAG
TAACCTTTAGTTTGTCTCTGCGATTATCAACTGACGGGCTTTTATTTCATTTACAT
ACCCTAGCAACACTTATACCTTGCGGAATTGTATTGGTAGCGTGAAAAAGCACACTGAG
>EP59011 (+) Hs elk-1; range -499 to 100.

GCTCTATGGTCTTGTCTAACCGTAGAGTGCCCTGCCCGCTACGCGGAGCCAGTCCGA
CCCCTCCCGCGGCTGCTACGCCCATTCTATACAAGCCCTGCTTCCGCTGAGCAGCAT
GGCGTGCGACACCGCCCCCTTGGTGTGTTTGGCAGGGGTCTAGAAGTCCCTCGTCCGCCAA
TCAGAGAAAAACAGGGCCACCCACCCCGTCTTGGGGGCTGTCTTCCATCAATCCCATG
TAAGCCAATCAGTGTGAGGACAGCCCCGCCCCCGACACAGGCCCGAGCCTTTTCAG
TTGCTCACAGTCCGTGAGTCTTGAAGCAATCGGCGTGGAGCACCGTGAAGGCCGAACGC
GCCTCCTCGGACTCCAGGGGCCGTGAGCGTTCCATCATTTCCCTTACGCCAATCACGG
CACAGCTCTGTAGGGAAGGGCCCGTCCCCAACCCCTCGAGGCCTTGCGGCCGATTAATA
GCGCTTTGGCCAATCAGCGAGCGGCGGGACATTGGGCTCCTCCTCCTCGGGCCACGTGA
GCTGTAGGGAACGCGAGGGGCGGCTTCTAGGTGCTGCCGCCGCCACCGCCACCACCT
>EP17085 (+) Ss cAMP-dep. PK R_I; range -499 to 100.

GTACATCCGAGACTCCCTAAGTGGCTGGCTGGGTGGGGGAAGGGGTTGAGGGAGGGGA
GAAAAGGCCGAGGCGGCGAGGGAGGTAGGAGTGAAGGTGGGAGGAGAAGAGAGAAGAGGA
GGAGGAGAGGGGAGCTCCCGATAGTCGCTCAGAGAAGGAGCGAAGAGCAGAAGAATAAAG
GGGACCTGAGGCGTCCAGAGAGGAACAGGTAAGGGGCGGCGAGGTGAACAGAGGAGGAGAG
CCCCAGGCTAGAGAGAGTGGGGGAGAGACAAAAGGAAGCGTGGGGAAAGGTGCAGATG
AGGGACGATGTAAGACAAAAAAGCAGAAAAGGAACGCTCCTAGAGAGGAGAGGCGAGGGT
CCTTCAAGGAGCGGCGGGGGCGGACGGGGCCCCGCTGCACCTTTAAGGTTGCCAAGGCAA
CGGCTCTGGCCAGAGCGAGGCGCATTGACGTGAGCAGCCGGGCGTTGATTGGCTGTGGCT
AGCCGTTTCCGTTGGAGTCGCGCGGAGCGCTATCGCTGTGTGAGCCGGGCTGGGAGGG
AAACGCTGAGGGAGCTCAGCAAGCGTCACCTCACACCGGTAATCCCGTGCCCGCCGCCG
>EP60001 (+) Mm Crp2/SmLim; range -499 to 100.

GGGGGAAAGCAAAACACTTGGGGAATGAGGTGTTTTCATAACGTCAATTTGTTAGTCTAG
ATGAGGAATGCAGCTCTTTCGCGACAGGAAAGCTGCGGATTCCAGAAGCCGGGATTCTGA
CCAGAGACTATCCTGCACCGGGGAGTCTGCAACCCGGAGGCTAACATATGGCGTTTGTG
CAGTAAAGGGTGGCGGGAATCCACGGGGCGACACCGGATCTCGCTGGCTCCGGGCCGAT
CCTGAGTGCTCCGACGTCCCGGGACCGGGTAGGAGCAGCCGAGACGTGGGAGACTCG

GACGCGCGGGGAAGCCGAGGAAGAGGCGGGATTCCGGTCTTTTGTCTCGGGGCCAGAGCT
CGAAACCCGACGCGGGAGCCCCAGCTCAGCGGGCCGGGCGGAGACCATCGCACACCCCGA
GGGGCATGACCGATGATGGGCGTGCGGAACAAGGCCACGCCCAACATAAGTCTTTAAAAG
CGGGCACACGCGTCCCGCCAGTCTCCGGATCCGCCGCGGCTTTCTCGGTGAGACCTCG
TTAGTCCGCCCCGCGGTGCTCCCTCCTCCACTCGGGTGAGTCTAGGCTCNNNNNNN
>EP7003 (+) Hs CXCL14; range -499 to 100.

TTGGGGGTGAGGCTGCAGGCACTCACACTTGGCACCTGCTCCAAACCCCTTTCAGGTCT
TTGAGGATCTGAGCCCTGGGCTGGGTCTCCCGCGGCTCGGAAAAGTGGCCTGCCGGG
CCAGAGAGAGAACACACGATTAGAAAAGCAGTGCCCTTCAGCAGCCTCTCCACCGTCT
GGGCTCCCCAAAGGCAGAGCGGGACGCTGGAATGTGTGCGCGCTGTGGTATGGGTGTG
AAGTGTGCGAAGGCGGCGTGTGTGTGAGCGAGAGGGTAGCGGATGTGTGTGTGCGTGTG
CGCGCGTGGCTCCGGGTGTGCGCGCTGCGATAGCGGGTCTTTCCCGGGGCGGGCGACG
GGCGGGCTGGGAAGGTCTCTCCCTCACCACATTGAGAAATCTCAGTGAGTCACCGAGT
GGTTCTGCATATTAATGAGCTCGCTCGCTGCGAGGGCAGGAGCGGATTTAAAAGAGGCCA
GGGCGGGCGGAGGGAGGCTGTGGAGAGAGCGCGGAGACAAGCGCAGAGCGCAGCGCACGG
CCACAGACAGCCCTGGGCATCCACCGACGGCGCAGCCGGAGCCAGAGAGCCGGAAGGCG
>EP7103 (+) Hs RGS1; range -499 to 100.

TTACTTTGCCCTGCTTCCTGCAGAAAAGAGAAGTCTTAAATATTTTGTATCAGATGA
ATTTTATAGTCAAGGACTATCCAAAGCATGGAGTAAGATACAACCTCTATGTGATGAATTT
CTATGTGAGTTTCTATATGATAAATTAATACGCCAAATGAAACAGTTTATTGAAACATGC
AACTTTTTTAAATAAACAACATCTCCAGAACCAAGACTGATGCTGTTAATGCTTTA
GACATGTGACATATGTGTGTGACCTCTGTATGTTTAAATTTCTTTCTTTCTAATCAAGT
GACCTGTTCTCGTTTGGTTAAGTTTCAACCACAAGACACCACTGTATGCTTTTTTTTTT
CAAGATACACGTCACAGCACACCAAGAAAAGGGGAACCTCCAGTGTCTGTGGTAACATCA
CTTGATAAACAGACTCCTTTAAACAGCAAGTGCCTGTCTGCATTCTACTATATAAAGCAG
CAGAGACGTTGACTAGCGCATATTTGCTAAGAGCACCATGCGCGCAGCAGCCATCTCCAC
TCCAAAGTTAGACAAAATGCCAGGAATGTTCTTCTGTCTAACCCTAAAGGAATTGAAAGG
>EP4102 (+) Sg MT-A; range -499 to 100.

TAAACACTACACATTCAAATGATTCCCGACAAGTTTACATCTAGAATTACATACATTCTC
TCATTCTAATCTATAGCCTACTAGTCTTAGATTAGATATGTCTATAGGCTATAACATTT
AAATCATCATGAATTTGAACAAGACATTTAGTGTGTCTATGAAATAACAATATCTGGTAA
CTAAACGTTAACAAAGTCCAGACTCCAGTGGGTATTTGAAGGCATTACATAAATAAATAA
ATACTTATACATGTTTGCATATTAACATAATGGGTAGCCATATTTGAATGAATCAATTGT
CAACATGGTAATTAGGCTATGTAGGCTATTTAAACAATAGGCTACTATTCCTTGATGGG
CATGTTTTCGCTCTAGATAATAAACCGTGTGCAAGCAAGCCTATTAATGAGCTGTCTGCG
TGAACGCGGACTCTGTTCTGCACACGGCACCTGTCTGCCCCGACGATATAAATTCGAA
GTCTCGTAGTTAGAAATTAACGCTGACAACACACCACTGACACCCAGACAACTACTA
CGATCCATTCGGATAAAGAAGGTAGCTCAAAAAGTGGAAAATGGATCCTTGTNNNNNNNN
>EP4103 (-) Sg MT-B; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NNNNNNNNNNCTGATTAAGTTTGTATAGTTAAATAAATATGGTGTAGCCTTAATTTTAT
CGATGATCAACGTGGTAATCAGGTTTATGTAACAGACTATGGAATTTGGAAACAATAGGA
AACTCTTCCTTGATTATTTTCGCGCAGTATAATGAAATAACCCGGGTGCAACCCCTGATC
GTCTGAACGCGAGACTGTTTTGCACACGGCACCCGTCTGTCCCTGACGCTATAAAAACGG
CTTGTCGCCAAAGAGAAATTTAAAGCTTACAACCTCAACAGTGAAATTAAGCTGAAATACT
TCATTTGACTAAAGAAGCGGATCGAAAAATGGATCCTTGTGAATGCTCTAAAAGTAAGT
>EP0754 (-) Mm MT-I; range -499 to 100.

AGTAGAGAATAATGTTGAGATGAGTTCTGTTGGCTAAAATAATCAAGGCTAGTCTTTATA
AAACTGTCTCTCTCTCTAGCTTCGATCCAGAGAGAGACCTGGGCGGAGCTGGTCGCT
GCTCAGGAATCCAGGAAAGGAGAAGCTGAGGTTACCACGCTGCGAATGGGTTTACGGAG
ATAGCTGGCTTTCCGGGTGAGTTCTCGTAAACTCCAGAGCAGCGATAGGCCGTAATATC
GGGGAAAGCACTATAGGGACATGATGTTCCACACGTACATGGGTCGTCTATCCGAGCC
AGTCGTGCCAAAGGGGCGTCCGCTGTGCACACTGGCGCTCCAGGGAGCTCTGCACTCC
GCCCGAAAAGTGCCTCGGCTCTGCAAGGACGCGGGGCGCGTGACTATGCGTGGGCTGG
AGCAACCGCCTGCTGGGTGCAAAACCTTTGCGCCCGACTCGTCCAACGACTATAAAGAG
GGCAGGCTGTCTCTAAGCGTCAACACGACTTCAACGTCTGAGTACCTTCTCTCACTT
ACTCCGTAGCTCCAGCTTCACCAGATCTCGGAATGGACCCCACTGCTCCTGCTCCACCG
>EP3057 (-) Hs MT-IA; range -499 to 100.

GCTCTGCACAACTCGCTCGCTACCGCACGCTCCACGCTCTGCACTACGCCGATCCGGG
GACAGGAGCAGGAGGCTGTGGCTGCACTCAGACTTCGGGACAGGCCGAGCTGAAAACCGT
GAGAGGGGTGGGTGGAGGCGACCGAAACGCCAAGGCTGGGTTCCGGGAACGCGCGGGGA
CTAGGGTGGAAAGCAACTTCGGGGAACTGGGAAAGGCGACCGGGACCTCGGGGACGCCC

CGTACCCCGGGCGTAAACTACTCCCGCTTAGCGGCCCAAAGCGGGGAGGGGGTGGTC
CCGTGGTCCGACCCAGGGGAGCTCAGTGGACTGTGCGCCTTGCCTTTCTGCTGCGCAAA
GCCAGTCCAGTCCATCACCTCGGGCGGGCGGACTCGGCTGGGCGGACTCAGCGGGGCG
GGCGCAGGCGCAGGGCGGGTCTTTGCGTCCGGCCCTCTTCCCTGACCATAAAAGCAG
CCGCTGGCTGCTGGGCCCTACCAAGCCTTCCACGTGCGCCTTATAGCCTCTCAACTTCTT
GCTTGGGATCTCAACCTCACCAGGCTCGAAATGGACCCCACTGCTCCTGCGCCACTG
>EP25036 (+) Hs MT-IB; range -499 to 100.

CGAATGGCCATCCTGTCTAGGGCGGCCAGCTAGGCTGTGGGAGACCTGGAGAGATTT
ATGCAAAGGAGGACCTGGACAAATATCCCCATTACGCTTCTCAAGAGTGGAGAATGGAAG
GGAGGGAGACAGAGCCCTGTGTCTCTGTCTGTTGCTGTGCACAGGAGAAATGTGACTGA
GGGACCGAGGTGGGGACATACTCAGGCAAGGTGGGAAATCCAAAGGTACAGCCTCCACC
AGTCTTTGACACAACCTCTCTCCTGTGCTCCCGCTGTGCTGATCCTGAAAGTTGAAC
ACGGGGCTGGGGTTGCACACGGTATCCAGGGAAGGTAACGATGATAACAGTCCTGAGTCA
GGCCAGGTCACTGCTCATGGCCAGGCATGGACCAGGGCAGTGCAGACTCAGCAGGGGT
GAGTGCAAGGGCCAGGGCGGGGCTCTGCACCCACACCTCCCCGACTATAAAGGGAG
CAGCCAGCTCCTGGGCTCCATCACACCTTCTCCTGCCCTGACTTCTCATATCTTGCCTA
GGAACTCCAGGCTTGTCTTGGCTCCAAATGGATCCCAACTGCTCCTGCACCACAGGTAAG
>EP30058 (-) Hs MT-IE; range -499 to 100.

AGAGAAATGAAAGCCACATCGGTGGCGGATGTTCTGAACACAACCTCGCTCGTACCGCAC
GTTCCCCGCTCCGCACTCAGCGGATCCCGGGACGGCAGCAGGTGGGCTGCACACGGACTC
TGGGACAAGTCGAGCTGAAAACCGCGGAGCTAGGGGTGGGGTGGAGACGCCCCGACGCC
AAGGCTGGGGTCCCGAACACGCTGGGAGGAGGTGGAAGGCAACCTCGGGGAACTGGG
AAAGGCGGCCTGGACTTCGGGAACACCGCGTACCTGCGGGGACACAGCCACCCGAGCG
AACGGGCTCCAAAGGGGAGGTCCCGCGGTGCCACCGCGCAGAGCTCAGGGGGTGGTGCG
CCCGGCCCTTCTGCGGCGCACAGCCAGCCAGGAACGCGGGCGGTGCGGACTCAGCGGG
CCGGGTGCAGGCGCGGAGCTGGGCTCTGCGCCCGGCCGACCTCCGTCTATAAATAGAG
CAGCCAGTTGCAGGGCTCCATTCTGCTTTCAACTGCCTGACTGCTTGTTCGTCTCACTG
GTGTGAGCTCCAGCATCCCTTTGCTCGAAATGGACCCCACTGCTCTTGCGCCACTGGT
>EP30059 (-) Hs MT-IF; range -499 to 100.

NN
NN
CCAGGAAAGGCTTAGCTGTTGACGAAGGACCGGGCGGGGCCGGGGGCGGGGCGAAGGC
CAGGATCTCCAGGTACCCGGAACCCAAAGGGGCGGGTGTAGCAGGCAATCTTGGGAAAC
TGGGAAGGGCGGGCAGGAGGGCAGGGAAGCGCTCACCCAGGCACAAAGCGCCTCCCGCT
TGAGCGGACTCCAAAGGGACGGTCCGCGGTGTGCAGCGAGCTGCGCTCAGGGGACCTTGC
GCCCGGCCCTTCTGCTGCACACAGCCACCCAGGACCTCCCGCAGCGCTGACAGGCGGGG
CGGGTGCAGAGCGGGGCGGGTCTCTGCGCCCGGCCCTCCCTGACTATCAAAGCAG
CGGCCGGCTGTTTGGGTCCACCACGCTTCCACCTGCCCCACTGCTTCTTCGCTTCTCTC
TTGAAAGTCCAGTCTCTCCTCGCTTGAATGGACCCCACTGCTCCTGCGCCGCTGGT
>EP37011 (-) Hs MT-IG; range -499 to 100.

GATACTGCCAGAGATGCGAAGTTCGCACCTTGGCCTGCCCTTTGCACACTACTCCCTTG
CTATGCTCCCCGCTTTGGCAGATCCAGAAAGTGGAGCACAGACTGGGGTTGCCCTCGAC
TCCAGGAAAGGCTTAGCTATTGACTAGAGACCTGGGCGTTGGTGAAGGTGAGGGGAAAGC
CAGAATACTGGGGTAGGCGGAACGCCAAGGGGCGGGTGTAGCAGGCAACCTCAGGGAAGC
TGGGAAGGCCTGGCAGGGTGAAGAAAGCCGACACGGGGGACAGCGCCTCCCTCGCGA
GCCGGTGCAGAAAGGGGCGCTCTGCGGTGTGCGCCAGCTGCGCTCAAGGGACCTTGAC
TTGGCCCATCTCTGCGCACAGCCAGGCCGGGACCGCGGGCGGTGCGGACTCAGCGGGC
TGGGTGCAAGGGCGGGGCGGGGCTCTGCGCCCGGCCCTCTCTGACTATAAAACAG
CCGCTGGCTGTTGGGCTCCACTCCGCCTTCCACGTGCACCCACTGCCTCTTCCCTTCTCG
CTTGGGAACCTAGTCTCGCCTCGGGTTGAATGGACCCCACTGCTCCTGTGCCGCTGG
>EP07055 (+) Hs MT2A; range -499 to 100.

ACGGATACGTATCAGTAACCAACCCACGGGTTTACTGTGATGCTGCACAATTATTAAGC
CTTGGCTGCTACAGAGTTGTAACCTGTCTGCACTTCCAACCGGTTTGGGAATGCAAGCAG
CATTCCCAAGTCCCGCTTTACCCGCGCGTAACGGCTCAGGTTGAGTACAGGACAGGA
GGGAGGGGAGCTGTGCACACGGCGGAGGCGCACGGCGTGGGCACCCAGCACCCGGTACAC
TGTGTCTCCCGCTGCACCCAGCCCTTCCGCGCGAGGCGTCCCGAGGCGCAAGTGGG
CCGCTTTCAGGGAAGTACCGCCCGCGGCCGTGTGCAGAGCCGGGTGCGCCCGGCCAG
TGCGCGCGGGCGGGTGTTCGCTGGAGCCGCAAGTGACTCAGCGCGGGGCGTGTGCAGG
CAGCGCCCGGGCGGGGCGGGGCTTTTGACTCGTCCCGGCTCTTCTAGCTATAAAGCT
GCTTGCCGCGCTGCACTCCACACGCTCTCCAAGTCCAGCGAACC CGGTGCAACCT
GTCCCGACTCTAGCCGCTCTTACGTGCGCATGGATCCCAACTGCTCCTGCGCCGCGG
>EP17086 (-) Hs hsp 27K P1; range -499 to 100.

GATTACAGGCATGAGCCATGCACCCAGCCCTTTTAAATTTTTTTGAGAGACAAGACT
TTGATCTGTTGCTAGGCTGGAGTGCAGTGGTGAATCATAGCTCACTGCAGCCTCAACT
CCTGGGCTCAAGCACAGACTCCTTTTATCACATTCTATCTCACACGCGTGTGTTCCAA

TCCTGCCTCTGCCACTTCTCAGTTGTATGCCCAACCCAACCTGTCTGGCTCTGTCCTCC
TTAACAGAAGGACGGCCCTGGCCACGGGCCACAGCCAGCAACGCTTAAGCACCAGGGCCG
GCGAGTGCCCTGCCGTGGCACGGCTCCAGCGTCGCGCTCTCGAATTCATTTGCTTTCTTT
AACGAGAGAAGGTTCCAGATGAGGGCTGAACCCCTCTTCGCCCCGCCACGGCCCTGAAC
GCTGGGGGAGGAGTGCATGGGGAGGGGCGCCCTCAAACGGGTCAATGCCATTAATAGAG
ACCTCAAACACCGCCTGCTAAAAATACCCGACTGGAGGAGCATAAAAGCGCAGCCGAGCC
CAGCGCCCCGCACTTTTCTGAGCAGACGTCCAGAGCAGAGTCAGCCAGCATGACCGAGCG
>EP17087 (+) Hs hsp 27K P2+; range -499 to 100.

AGACAAGACTTTGATCTGTTGCCTAGGCTGGAGTGCAGTGGTGAGATCATAGCTCACTGC
AGCCTCAACTCCTGGGCTCAAGCACCAGACTCCTTTTATCACATTCTATCTCACACGCGT
GTGGTTCCAATCCTGCCTCTGCCACTTCTCAGTTGTATGCCCAACCCAACCTGTCTGGC
TCTGTCTCTCTTAACAGAAGGACGGCCCTGGCCACGGGCCACAGCCAGCAACGCTTAAGC
ACCAGGGCCGGCGAGTGCCCTGCCGTGGCACGGCTCCAGCGTCGCGCTCTCGAATTCATT
TGCTTTCTCTTAACGAGAGAAGGTTCCAGATGAGGGCTGAACCCCTCTTCGCCCCGCCACG
GCCCTGAACGCTGGGGGAGGAGTGCATGGGGAGGGGCGGCCCTCAAACGGGTCAATGCC
ATTAATAGAGACCTCAAACACCGCCTGCTAAAAATACCCGACTGGAGGAGCATAAAAGCG
CAGCCGAGCCAGCGCCCCGCACTTTTCTGAGCAGACGTCCAGAGCAGAGTCAGCCAGCA
TGACCGAGCGCGCGCTCCCTTCTCGCTCCTGCGGGGCCCCAGCTGGGACCCCTTCCGCG
>EP14068 (+) Xl hsp 30K; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NN
NNCAAGGAGCTGACAAATTTATTATGCAACACAGGCTCCTCCCTTCTCCACATATAC
AGAGAGCACATGGAAGTCTCGGGAACGTCCAGAACACTAACTAAGGAATATAAAAGTGC
TGGGGCTGGGACTGGCTGCACTACTGACAAGTAAGAAAGCAGAAGAACACAAACAAGCCC
AATCTCTCCAGCTCTTCTCTGACAAGAAGCTCCAGGAAATCAGCAGAAGATTTTCTCTCT
>EP14069 (+) Xl hsp 70K; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNCCGTTTAGCAGGAAATAGCCTTGGGTTGATGGGAAGGAATGG
ACATGGTCAGAGACAAGACAGCAAGATACAGAGGAACGCATATCTATTTCACATGAGAAAC
GACTCTCTCGAGAAAGCTCGGAATCTTCCGCGATTGTGACTAACTCAGCAACCGTGACA
CTGCCGGAACCTCGCGAAAGTTCTTCGGGTGATCTCATACGCAAACTGGTTGCTGATT
GGCTAACGAAATGGAAGCCTCGGGAACCTCGGGTCGGTTGCTAAGGTGACCGTGGCTGG
CGTGGCGTGTACTGTGCCTTGATTGGCTAATCTGTTCTCAGAGTTCTGTATAAATACAGC
GGGTTTGAAGCGATGTGGAAGTAGCAGAATCTAAGCTGACACTTGTGAGATCTGACAGAG
AAGAGCAACTGCACAGCGATACTTACTGGGCAAAGACGCAGCTGCGCATATTCTAGCGAA
>EP17088 (+) Hs hsp 70K; range -499 to 100.

TAATCTTTTTCCAACTGGCCCATGAGGTGAGAGACAGTATCTCCATTGTAACGTGGCCG
GGCGGTGTCAACACAAACGCCCCACCCCTCCCTGGACGCGCGTAACCCGCTCCCCGCAC
CAGCCCCCTGCCACAACCTGCGCAGGCCAGCAAGCCCCACAATTAAGGCCAGCGCC
GACCCCTCCTGTCAATTAGGCGCTGAAGCGCAGGCGGTGAGCATCGCCATGGAGACCAAC
ACCCTTCCCACGCCACTCCCCCTTCTCTCAGGGTCCCTGTCCCTCCAGTGAATCCCA
GAAGACTCTGGAGAGTTCTGAGCAGGGGGCGGCACTCTGGCCTCTGATTGGTCCAAGGAA
GGCTGGGGGGCAGGACGGGAGGCGAAAACCTGGAATATTCCCGACCTGGCAGCCTCATC
GAGCTCGGTGATTGGCTCAGAAGGGAAAAGCGGGTCTCCGTGACGACTTATAAAAGCCCC
AGGGGCAAGCGGTCCGGATAACGGCTAGCCTGAGGAGCTGCTGCGACAGTCCACTACCTT
TTTCGAGAGTGAATCCGTTGTCCCAAGGCTTCCAGAGCGAACCTGTGCGGCTGCAGGC
>EP24017 (-) Gg hsp 70K; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NNNTTGTGATTGGCTGAGGGGAG
TGGCGCAGCGTAGAAAGCGAGACGGATCGAGAAAAAACAGGAAGAAGCCGATCTGGCTG
CAATCTACGGGAGAGGGTTGGGCTAGAGAGTGGGCGCTACGCTTCTGATTGGGCGAGGAGG
CAAGGGGGCGGGCGCTCTTCGGCTAGTCCGGGAGGCGGATTCCGGTCAACTGCGGCAGTCGG
GTGTCTGGATTGGTCTTAGCGTTCTGGCAGGTTCCAGAAGAAGGCTAAGCGGACTATAA
AGAGGGGCGGACGGCCGTAACGGCAGATCGCGCCGACAGCAGCGAGAAGCGGGCGGA
GGAGACGTGACTGCGAGCGAGCAAGTGAAGTGGCGGAGCGAGTGGCTGACTGACCAAGAGG
>EP15051 (-) Rn hsc 73K; range -499 to 100.

CCGGACTCCCCCTCCCTCAGGCTCTTCTTTAGGCTGCACAGGGTCCCAAGAGGAACAGA
TAGCGCCGAGCACTGCTGCCATTGGTCCGTTGCGGGTGTACCCGCCCTCCTTCATGGGCA

ACCACTTCAGGGCTGCTGGGGAATGGGTCTCTCTGTGGGCCACAGGTGTAACCAATTGTGT

TTTCCTTGTCTGTGCCAGGGACACCTTGGCACTCAGATGCCTGAAGGTAGCAGCTTGTCC
CTCTTTGCCCTTCTAATTAGATATTTCTCTCTCTCTCCCTCTCTCCATAAAGAAAAAC
TATGAGAGAGGGTGGGTATGAACCAAGTTTGTTCCTTGGTTAGTTTCCTAACCAAGTTT
GAGGGTATGAACATACTCTCTTTTCTTTTCTATAAAGCTGAGGAGAAGAGTGAGGGAG
TGTGGGCAAGAGAGGTGGCTCAGGCTTTCCTGGGCTGATTGAACTTTAAACTTCTCT
ACTAATTAACAACACTGGGCTCTACACTTTGCTTAACCCTGGGAAGTGGTCATCAGCCT
TTGACCTCAGTTCCCCCTCTGACCAGCTCTTGCCCCACCCTGTCCTCTGGAACCTCTG
CGAGATTTAGAGGAAAGAACCAGTTTTTCAGGCGGATTGCCTCAGATCACACTATCTCCAC
TTGCCCAGCCCTGTGGAAGATTAGCGGCCATGTATTCCAATGTGATAGGAACTGTAACCT
>EP39002 (+) Hs renin-b. p. RnBP; range -499 to 100.

GGAGTTTCGAGACCAGCCTGGGCAACATTGCAAAACCTGTCTCCACTAAAAATACAAAA
TTAGCCAGGCATGGTGGCCACACCTGTGGTCCCACCTACTCAGGAGGCTGAGGTGGGAG
GATCGCTTGAGCCTGGCAGGTCAAGGCTGCAGTGAGCTGGGCGACAGGACACTGTC
TCAAAAAACAAGAAACAACAACAACAACAACAACAACAAGAACTTGCTCTGTCT
ACCCTGTGTGGTGACAGGTGAGAGGGACCTCTGCATTAGGCCCCACTAGCTGTTCCCTGT
CCTGCTGCACCCCTGCCCCACAGGCTTGGTAGGGCCAAGGCCCTCAGCCGCCCTGCCGGG
GCCCTTGGTGTAGGGCGGGGTGGGTGGCAGCCCCGTTCCCTCATCCAGACCCCTCCGG
CCATCCCAGCTTTTCCCAAGCAGGATCTTGAGACCAGAGCTCCCAGCAGGGGCCCTG
GAGGGACTGGCCCATTCGAGTGAGGGTGCAGGCAAGTGCAGGGGTGCGGGCTCA
AAGCCCCGCCAGGCCAGCGGAACCTGAAGAGGAGGGGGAGGGTGAGCCGGGCGCGG
>EP49018 (-) Rn SPI-1; range -499 to 100.

TTGAACCTTCTGTCTGCAGGACATTTCTGGCTAGGTTAAAGTTAATCCAAGATATTAT
ATATTATTTTGGCTATTGTGAAGATGTTGTTTCTGTAATTTCTTTCTTTGCCATTTAAT
ATTTGTATAAAGGAGGGCTATTTGTTTGAATTTTTTGTGTTTGTAGTTGGTTTTAG
TGTTTCATTTTGAATGATTTATCCAATGGAGGAAAAATGAAGCTTACAGACCTGCTGGG
ACACAAGTAAGGCAGACTTTGTACACTCTACTTTTGCTTTGGACTTCTCCACTTTCTCT
ATTGACTTTGACCACTCAATAAATAAAAGGTGTGCTCAGGAGATCAGTACGCTTCTACTA
ATCCATGTTCTGAGAAATCATCCAGTCTGCCCATATGTAATCTGAACACAAAGCACAGGT
TGTCAGGCAACATTTCTAAGAGGAGGGAGGAGCCTTTGGTGTAGATAAATAGGCATC
CCTGTGCACTGGGGATAACANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP49019 (-) Rn SPI-2; range -499 to 100.

GGAAAGTTCTTGTCTGCAGGACATTTCTGGCTAGGTTGAAGTTAACCAAGATATTCA
CATTATTTTTGCTATTGTGAAGGATGTTGTTCTTAATTTCTTTCTTTGCCATTTAATA
TTTATATAAAGGAGGGCTATTTGTTTGGTTTTTCTTTGTGTTTTAGTTGGTTTTAGT
ATTCATTTTGAATAATTTAGACAATGGAGGAAAAATGTAAGGTTACAGACATGCTGGGA
CACAAGTAAGGCAGAATTTGTACACTCTACTTTTGTGTTTTGACTTCTCCACTTTCCACA
TTGACTTTGAGCCACTCAATAAATAAAAGATGTGTTCAAGAGATCAGTACGCTTCTACTA
ATCCATGTTCTGAGAAATCATCCGCTCTGCCCATCTGTAATCTGAACACAAAGCACAGGT
TATCCAAGGCAGTATTTCTAAGAGGAGGGAGGAGCCCTTGGTGGGGATAAATAGCCATC
GCTGTGCACAAGAGAGCAAAACACACCAGGGCACCCTGAACATCAGGAGTCGGCAAACAC
AGAGGCTAGTAGCTGGCTGGTATCACCTCTGCAGGTAATGCCCAGAATTCCTGCCTCCAG
>EP49020 (+) Rn SPI-3; range -499 to 100.

CTCTATTTAGCATACAGTCATTCTGACAGGACAGATATAGATGTAGACAGGTTCTGTCA
GCACCACGTGTGTGTTTATTACCATGGACATTTCCATAGAGTAAGTGAAGGATGGGAGT
AGAGAGTCGCTCTATTCTTCCAAAATGACTTAGAGGCTCCAGGATTAATGTTAGCTGCA
GCCCTCCCTAAAGACAAGTATAGCAGAGGTCTACACTCTCCCTTTACTTCTGACTTCCC
CACACACACACTTTCCACATTGACTCTGAACCATTTGGTAAACCACGACATGCCCAGGAG
ATCGGTAGGCTTGTGTAGAGCAGAGATGGGAATTTCCCATCAGAAAGTAGGGACTATGA
GTCCATGTTCCCAAGAAATCATCCCGTCTGCCCATTTCCAGTCTAAACACAGAGCACAGCT
TGTCATGCCAGCATTTCTAAGAGGAGGGAGGAGCCCTTGGTGGGGTTAAATAGGCATC
CCTGTGCACTGGGGATAACANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP25050 (+) Hs surfactant p. 5K; range -499 to 100.

AAACTGATGTCAAAGCACCTCTGCCTTGGGCAGAGTCTCTCAGAGTCTACAGGTGCTG
CCTCCAGAACCCTCTTCTGGAGCGCATCCCTATGTATCTAGAAATTCTGCTGGGAAATA
TGATGGTCAGACCTTTGGCCACCTGAAAGGTTTCAAGGTTGTTAGAAGAAAAAGGAAAGCCA
CAGGGCAGCAGGGGCAGGTGCCAGCAAGGAAGGCAGGCACGCCAGGAAGACACCCATGGT
GAGAAGTGACAGATGGCCCGAGGGCAAGTTTGTCAACTACCCAGGTTTGCTCTTGCTGG
GGCCAAGAGGACTCATGTGCCAGGGCCAAGGGCCCTTGGGGGCTCTCACAGGGGGCTTAT
CTGGGCTTCGGTTCTGGAGGGCCAGGAACAACAGGCTTCAAAGCCAAGGGCTTGGCTGG
CACACAGGGGGCTTGGTCCTTCACTCTGTCCCTCTCCCTACGGACACATATAAGACCC
TGGTCACACCTGGGAGAGGAGGAGAGGAGAGCATAGCACCTGCAGCAAGATGGATGTGGG
CAGCAAAGAGTCTGTATGGAGAGCCCGCCGGTGAGTGTGGTTGCGTGTGTGTATGTATG
>EP07115 (+) Mm Ig VH101; range -499 to 100.

TTAAATAAAATGCTGAATGAACATTTTGAATGCACATATTGCTGAGACATGTTCTCTTGCT
GTCATTTGTGAATATTTTAGTATGCAACCTTTTGAAAGGCCAATATTATTTAAATATA
TATGAGAGAAGATTGCTAACTCTCATAAATGATTGGTTTTTTTTTTTTTAATTTCCAGT
AAGTGTTATCCTCATTGCTACTACCACCAATCAATTTTTCTACTAAGACAAGTGAGTGTC
TCAGGTTAGGATTCTATTTTAAAAATTGAGATATTAGGCTTTGATACTACATCTAAATGGT
CTGCACATGCTCGAAGAAAAGTTCTTCAGACAGAGTTAGGACTTGGACCCAGGAGTTAGG
ACTTGGACTGACTCAGGAGCACTCTAGTTTCTTCTCTCCAGCTGGAATGTCCTTATGTA
AGAAAAGCCTTGCCTCATGAGTATGCAATCATGTGAGACTGTGATGATTAATATAGGGA
AATCCACACCAAACATCATATGAGCCCTATATTCTCTACAGACACTGAATCTCAAGGTCC
TTACAATGAAATTGAGCTGGGTCTCTTCTCTGATGGCAGTGGTTACAGGTAAAGGGG

TTCAGTTCCTGGGGGTGCTTATGTTCTGGATCTCTGGTTAGTACAGAATTAGATAAAGAA
>EP07118 (+) Mm Ig k' T; range -499 to 100.

TGAACTGTAGTTAGCAAAAGCAGTAGAACCTTATGTTTTTAATTCGGTGAAAATGTTTAT
GATAAATTCTCCTTTTAAATTTCAACAAATGCCTACTCCAAACACTTCACTAGGGAGGAAA
TGCTATTATTTTAGACAACCAAAGTAATTTCTATTCGAGTGAGTTAAAGATATAATAGTTT
TTTCTTTGTTGTATATTCCCTGACAGCAGGGGATTCTTCTATATTACCTTAGTATATCTT
TGAAATATATTATTCAAAATAGAGACTACCTACAATAGAAATGACATCTATAATTATAAA
TCTTTGAAAAGAAATTCATTTTCTGGAGATATTCAAGTGGTTTGACCTCAGTCATCTGGG
GACACTGGCCTTGAGTTAAGTGCTGACATGAGCAAGTCTTGACCTGTGTCCAGCAATAA
CTGGTTCCCAATGATTTGCATGCTCTCACTTCACTGCCTTGGGGACTTCTTCATATACCC
GTCACACATGTACGGTACCATTGTCAATTGCAGCCAGGACTCAGCATGGACATGAGGACCC
CTGCTCAGTTTCTTGAATCTTGTTGCTCTGGTTTCCAGGTAAAATGAACTAAAATGGGA
>EP11153 (-) Mm Ig k' K41; range -499 to 100.

TCTTTGACCTGTAGTTAGCAAAAGTAAACTGTGAAATCTTATGTATTAATTCAGGGAAT
ATGGTTATTATAAATTGCTTTTTAATTTTAAGAGATGTCTACTGTAAACACTTCATAGG
TAACACATACTATTTTTTTTAAACCAACAGAATTATTTAAGTGAGTTAATATTTAATAG
TTTCTTCTCTGCTGTATATTCCCTGACAGCAGGATATTCTATATTACAGCATTATATCTT
TGAAATATATTATTCAAAATAGAGAGTACCTACATTAGAAATGCCATCTATAATTATAAA
TCTTTGATATGCAATTCATTCTCTGGAGACATACAAGTGGTTTGACCTCAGGTGTCTGGG
GACACTGGTCTTGCTAAGTTCTCAGATCAGTAAGCCTTGACGCTGTGACCAATCCTAA
CTGCTTCTTAATGATTTGCATATCCTCACTACATCGCCTTGGGGACTTCTTCATATACCA
GTCAAACATATCCTGTGCCATTGTCAATTGCAGTCAGGACTCAGCATGGACATGAGGGCTC
CTGCTCAGGTTTTTGGCTTCTTGTTGCTCTGGTTTCCAGGTAAAATGAACTAAAATTGGA
>EP11154 (-) Mm Ig k' MOPC41; range -499 to 100.

AGGGCACGCACCTTTGTATTTTCTCTTTGATTTGTAGTTAGCAAAGTTAAACTGTGTA
ATCTTATGTATTCAGGGAATATGATTATTATAAATTGCTTTTTAATTTCAAGATATGTCT
ACTGTAAACACTTCATAGGGAACACATACTATTTTTTTAACCAATCAGAATTATTTAAGT
GAGTTAATATCTAATAGTTTCTTCTCTGCTGTATATTCCCTGACAGCAGGATATTCTATA
TTACAGCATTATATCTTTGAAATATATTACTCAAAATAGACTACCTACATTAATAATGCC
ATCTATAATTATAATCTTTGATATGAAATTCATCCTCTGGAGACATACAAGTGGTTTGAC
CTCAGGTATCTTGCTAAGTTCTCAGATCAGTAAGCCTTGACGCTGTGACCAATCCTAA
CTGCTTCTTAATAATTTGCATACCCTCACTGCATCGCCTTGGGGACTTCTTTATATAACA
GTCAAACATATCCTGTGCCATTGTCAATTGCAGTCAGGACTCAGCATGGACATGAGGGCTC
CTGCACAGATTTTTGGCTTCTTGTTGCTCTGTTTCCAGGTAAAATGAACTAAAATTGGA
>EP07119 (+) Mm Ig k' MPC11; range -499 to 100.

TGTAGGATGGCACCCCTCCCTCATTTGATGCCCTGTCTTCTGCTGGAGGTGGGCTCTA
GAAGTTCCCTCTCCCTACTGTTGGGCATTTTATCCCTTTGATTCTGAGAGTCTCTCACC
TGCAAGGTCTCTGGTGCAATTCTGGAGGGTCTCCCAACCTCCTACCTCCTGAGGTTGCCT
GCTTCCATTCTTTAGCTGGCCCTCAGTGCTTCAGTCCTTTACCCTCACCAATATCTGA
TTTTGATGGAAGCCTATCATGAGAGCATCTATACACTTGTTGGTTTCAGAGCTTTAAATTG
GTCCTTGAGCTTCTATTTTGACTTCTTCCAGTGATTACTTCTGTCTTTGGTTGTACT
TTTGACTGTTTATTTAACCTGGATACTCTCAAACCGCTGTGTAATTTACTTCCTTATTTG
ATGACTCCTTTGCATAGATCCCTAGAGGCCAGCCAGCTGCTCATGATTATATAAACCAGG
TCTTTGACGTGAGATATGAAATGCATCACACCAGCATGGGCATCAAAATGGAGTCACAGA
TTCAGGTCTTTGTATTCGTGTTTCTCTGTTGTCTGGTGAGACATGTAAAACCTTTTATAA
>EP07120 (+) Mm Ig l' I; range -499 to 100.

TTTTCAGACCATTTCCCAATTCATATTTATAATTATATCATTTCCAGATTTAGACTCAT
TATACTACACACATTAATCTTCTCCATGAACTGACCATTGGGATGAACAAACACAGTAT
AAGTCACTTTTCCATAATTAATACTTAAGTAACTAGAAAATCTATAAAAACTTTGCATTTT
CTCCTTATTTTATTCCTTTACACTGACCTACATATTTGTAATGCTGTGAGTAGGGCATTAT
CATGTGGTAAAACATAATTTTCGTTACTATTGTCACTCTAGAATATGGATAGTGGGTGTT
TATGACTCTGGATAAGCCTGAACAATTGATGATTAATGCCCTGAGCTCTGTTCTTAGTA
ACATGTGAACATTTACTTGTGTCAGTGATGATTTTACATGACATCTTATAATAAACC
TGTAATGAAAGTAATTTGCATTAAGTCCAGCCAGCCAGCCATACTAAGAGTTATATTAT
GTCTGTCTCACAGCCTGCTGCTGACCAATATTGAAAAGAATAGACCTGGTTTGTGAATTA
TGGCCTGGATTTCACTTATACTCTCTCTCTGGCTCTCAGCTCAGGTCAGCAGCCTTTCT
>EP26001 (+) Hs TCR va' HD-Mar; range -499 to 100.

GAGAAATGTCAATTTAGATCTTCTGCCATTTTTTAAATGGGATTGTTGACTTTTTTTTT
TTGCTGTTGAGTTGTTGAGTTTCTTGTATATTCTGAATTTAACTAAAGTGTCATATTTT
CACTTTTAGCAGTTACATAACACAGGTCTGTAGTTGGAATACATCTTTGATCACTTTCA
TGAGTCCTCAAGATGGCAGTGCTTCTCAGGGACCTTGGGGCAAGCTCTCATGTGCTCCT
GCGGTGGGGAGGGGAGGGGATGCATGTGCACTTGCAAGTGACACACACACATGAATAAG
AGCAAGACAGAGGGAGAGATGAGGGAGGAGCTTAATGATGGAGCAGAGGTGTTAAAAAGA
ACATCCTTTTTCTAATTGGTAGGACAGATTTCTTTTATGATTCTACAGCAGAAAAATGA
GAAACGTTTGTTATTATTTTTTTTTCTGTTTAAGGTTGAATCCTCAGTGAACCAGGGC

AGAAAAGAATGATGAAATCCTTGAGAGTTTTACTGGTGATCCTGTGGCTTCAGTTAAGCT
GTGAGTTTTGGGCATCTCTGTAGAAACATAATGTATATTGTTTGCAATTATTGTGTATTC
>EP17093 (+) Hs TCR vb'8.1; range -499 to 100.

AGCTTCAAATATAATCAGTTTTTCAGGTCATCAGCTCAGCTCTTGATCCCTAACCAATGCA
GTTGACATGCGTCTTCTCAGATGTCTAACTCCTAACTCACTGAGGGATACTTTAAGTACA
TATAAAGGACTAGAAGCACCAAGCTACCAAGTGAGAGGAAGAGGAGAGTTTGCAGAGAAGC
TGGCTTGAAATAAGACAATGAGTTCATCTTTAAATACTTGCCATTTGAGGTGCAGATGGA
TATAGTTGGCAGGCTCCTATGTAAGGCATGTTATGGAGAAGCTACCGTGAATTGATAATA
TCAAAACAAATATCCAGGGAGCCTCTGCAAGTGTGCATCTCTATTTACACCAATTATAG
TTGAGTTAATTCTGCCTGATTTCATCTCCAGAGATGCAGCCTCCTCTTAAAGAAGTTGG
GGGTGGTGGCCATTTCAGTGATGTCACTGACAGATGCATTCTGTGGGGATAAAATGTCAC
AAAATTCATTTCTTTGCTCATGCTCACAGAGGGCCTGGTCTAGAATATTCACATCTGCT
CTCACTCTGCCATGGACTCCTGGACCTTCTGCTGTGTGTCCCTTTGCATCCTGGTAGCGA
>EP17094 (-) Hs TCR vb'8.2; range -499 to 100.

AAGAGCTTCAAATATAATCAGTTCTCAGGGCATCAGCTCAGTTCTCTATCCCTAACCAAT
GCAGTTGACATGCATCTTCTCAGATGCCTAACTCCTAACTCGCTGATGGATAATTTAGGT
ACACATAGAGGACTAGAAACACCAAGCCAGTGAGAGGAAGAGGAGAGTTTGCAGAGA
AGCTGGCTTGCAATAAGACAATGAGTTCATCTTTAATTACCTGGAATTTGAGGAGATGTA
TATAGTTGGCAAGCTCCTAGGTAAGGCATGTTATGGAGAAGCTACCGTGAATTGATAATA
TCAAAATAACTATTCCAGGGAGCCTTTGCATGTGTGCATCTCTTTTACACCAATTATAG
TTGAGTTAATTCCTGTCTGATTTCATCTCCAGAGATGCAGCCTCCTCTTAAAGAAGTTGG
GGGTGGTGGCCATTTCAGTGATGTCACTGACAGATGCATTCTGTGGGGATAAAATGTCAC
AAAATTCATTTCTTTGCTCATGTTTACAGAGGGCCTGGTCTGGAATATTCACATCTGCT
CTCACTCTGCCATGGACTCCTGGACCTTCTGCTGTGTGTCCCTTTGCATCCTGGTAGCAA
>EP14075 (+) Mm MHC I H-2K^b; range -499 to 100.

AACAGAGCCTGGTCTCTGTGGGGTCCCTGTGGGGCTTGACGCCAGCGCCTTGACTTTAA
GGAAAAGCCTCTCTCTCCACTGCATCCCTAAGCGCTTGTCGCGCATTGTATTCCCGGAA
GAGGCTTTTCTTCTAGAAGACTCCAGGGTCTGACTTCTGAAGAGAAGAAGAAAGAGGAAG
AGTGGAAGAGAGGACACAGAGAGTCTGGCCTGCGGGTCTCTCTGGTGTTTTGAGAGTTT
CTGGATCAGAACTCGGAGACGACAGCACAGGGTTCAGGCAAAGTCTTAGTCGCCAGGCAG
TGAGGTGAGGGGTGGGGAAGCCAGGGCTGGGGATTCCCATCTCCACAGTTTCACTTCT
GCACCTAACCTGGGTGAGTCTTCTGTCCGGACACTGTTGACGCGCAGTCAGCTCTTAC
CCCCATTGGGTGGCGCATACCAAGAACAATCAGTGTGCGCGCGGACGCTGGATATAA
AGTCCACGACGCCCCGAGAACTCAGAAGTCGCGAATCGCCGACAGGTGCGATGGTACCGT
GCACGCTGCTCTGCTGTTGGCGGCCCGCTGGCTCCGACTCAGACCCGCGCGGGTGAGT
>EP11156 (-) Mm MHC I H-2L^d; range -499 to 100.

GGATCCCTGTGGGGCTTGACAGGCCAGCGCCTCTGCTTTAAAGAGAAGCCTCTCTCCACTG
CATCCCTAAGCGCTTGTCGCGCATTGTATTCCCGGAAGTGACCTTTCTTCTAGAAGACT
CTAGGGTGTGACTTCTGAAGAGAAGAAGGAAGAGGAAGGGTGGAGGTTAGGAAACAGTGA
GTCGGGCTTGTTGGGTCTCTCTGGTGATCTGACAGCTTCTGGGTGAGAACTCGGAGTCAC
CACGACAAACTGCTCTCTGTCCGAGTACAGGGTTCAGGCAAAGTCTTGTTGCCAGGCG
GTGAGGTGAGGGGTGGGGAAGCCAGGGCTGGGGATTCCCATCTCTCTCAGTTTCACTTC
TGCACCTAACCTGGGTGAGTCTTCTGCGGGGACACTGATGACGCGCTGGCAGGTCTCA
CTATCATTGGGTGGCGAGATTCCAGGAGCCAATCAGCGTCGCGCGGACGCTGGTTATAA
AGTCCACGCAACCCGCGGGACTCAGACACCCGGGATCCAGATGGGGGCGATGGCTCCGC
GCACGCTGCTCTGCTGCTGGCGGCCCGCTGGCCCCGACTCAGACCCGCGCGGGTGAGT
>EP11157 (-) Mm MHC I Q10; range -499 to 100.

TCTCTGTGGGTTCCGTGTGGGGCTTGACAGGCTAGCGCCTCTGCTTTAAGGAGAAGCCTCT
CTCCACTGCATCCCCAACCCCTTGACTGCCATTGTATTCCCGGAAGTAGATTTTCTTCT
AGAAGATTCTAGGGTCTGACTTCTGAAGAGAAGAAGGAAGAGGAAGGGTGGAGGAGAGGA
CACAGAGATTCTGGCTCCCGGTGTCTTGACAGCTTCTGGGTTAGAAGTTCGGAGACACCAC
GACAAACAGCTCTCTGTCCACAGCACATGGTTTCAAGAAAAGTCTTAGTCTCCACGCGGTG
AGGTGAGGGGTTGGGAAGCCAGGGCTGAGGACTCCCATCTCCCAAGTTTCACTTCTGC
TCCTAACCTGGGCCAGGTCAATTCGGCTCGGCTCGGACACTGATTGAGGCTATCAGGTCTC
ACCCCCATGAGTGGCGCGTTCTGGGGAACCAACCAGCGTCGCCGCGCCACTGGTTATAA
AGTCCACACAGCCCGAGGGACTCAGACGCCCGGATCCAGATGGGGGCGATGGCGCCGC
GCACGCTGCTCTGCTGCTGGCGGCTGCCCTGGCCCCGACCCAGACCCAGGCAGGTGAGT
>EP17095 (+) Mm MHC I Tla 37; range -499 to 100.

ATCTGTAATGAGATCTGATGCCCTCTTCTGGTGTGTCTGAAGACAGCTGCAGTATACAAA
TGTAACATAAATAAATAAATTTCTTTAAAAAATAAATACTACAACCTCGATATGCCAGGG
CTGGCTGATACCCACTGGAAAACCTCCCTTTTTGCAAGAGAAAGGGAGAAGGGAAGAGG
GGAGGGGGGAGGACTGGGAAAAGGAGGAAGGGGAACTGTGGTCAAGATGTAAAGTTAATT
AATTAACATAATTAAGTGAAGCTTGACAGACTCTGCAACAAGACTTGGAATAACA
GTTTGCCCAAGAACACAAGTGCCAGAGAAGATAGTCCAGTTAAAGCTGTAGGTCATGAA
AAGGGATCCTACTGCTTTCTTTTATAAAGACACAAATGATGCAGTCTCAATTCTCATT

TCTGTTGGACGCTAGTTTTCTAAAAGCCAATCAGCGACGACAGAGGTCTCAAAGTACGAA
GTCAACAGGAATAGTCCTCATTACAGTTCTCACAGACCCAGGGGGTGAAGGATGTTGCTT
TTTGCCCACTTGCTTCAGCTGCTGGTCAGCGCCACAGTCCCGACCCAGAGTAGTAAGTGA
>EP30024 (+) Ss MHC I PD1; range -499 to 100.

TCATATGAAATGCATGGATTATTTATATCTTCTAAAAATTTGATGAAATTTTAACTATT
ATTTCTAGTATAGAAAATATCCACTGACGTATCAACACAAACATATCTTAGAGGTCTTCA
CTAATTTGTAAACTGTAGGAATATTCTCACTAAAAGGTTTGGAAATCGCTGGGTACACA
GCCCTGGGCCACGTGAGGCACTGGAGACACTGTGACAAAGAGCTTTCTGAAGAGCAGCA
GGGCAGAGTCCACGTCCGACGCCAGGCGTGGCTCTCAGGGTCTCAGTCTCAGGCGAGTC
TGCGCGGAGCGGTGTGGGAGTCCCGGTGTCCCGAGTTCACCTCTCCGTCTCGCAACCTG
TGTGGGACCTCCGTGCCCGGACACTCGTGACGCGACCCAGCTTCTCTCGTCTATTGCG
TGTCAGGTTTCTGGAGAAGCCAATCGGCGCCACTGCTGGTTCCCGGTCTAAACTCTC
CACCCACCCGGCTCTGCTCAGCTCTCCCGAGACTCCGAGGCTGAGGATCATGGGGCTGG
AGCCCTCTTCTGCTGCTGTGCGGAACCTTGGCCCTGACCGGCACCAAGGCGGGTGAGTG
>EP07121 (+) Hs MHC II HLA-DRA; range -499 to 100.

TCTAGGACTCCAAGAAGCATGAAAGAGCTTCTTTAGTGAAGCTATGTCCTCAGTACTGCC
AAAATTCAGACAATCTCCATGGCCTGACAAATTTACCTTCTATTTGGGTAAATTTATTGTCC
CTTACGCAAACCTCTCCAAGTGTCTTGCACAGACATATGATCTGTATTTAGCTCTCACTT
TAGGTGTTTCCATTGATTCTATTCTCACTAATGTGCTTCAGGTATATCCCTGTCTAGAAG
TCAGATTGGGGTTAAAGAGTCTGTCCGTGATTGACTAACAGTCTTAAATACTTGATTGT
TGTTGTTGTTGCTCTGTTTGTAAAGAACTTTACTTCTTTATCCAATGAACGGAGTATCT
TGTGTCCTGGACCTTTGCAAGAACCCTTCCCTAGCAACAGATGCGTCATCTCAAATA
TTTTTCTGATTGGCCAAAGAGTAATTGATTGCATTTTAATGGTCAGACTCTATTACACC
CCACATTCTCTTTCTTTTATTCTTGTCTGTTCTGCCTCACTCCCGAGCTCTACTGACTC
CCAACAGAGCGCCCAAGAAGAAAATGGCCATAAGTGGAGTCCCTGTGCTAGGATTTTTCA
>EP16068 (+) Hs MHC II HLA DQ2b'; range -499 to 100.

TTAGTGGTGGAAGTGAACCTTACCATTATTTCTTCTAAGAACTTTGCTCTTCTCCCCAG
GACTTAAGGCTCTTCAGCGTGTCTAAGACAACAGCAGTAAAAATTTCTGTGACAGCAATT
TTCTCTCCCTGAAATATGATCCCCACCTAATTTGCTTTATTAATAATCCCAAGTATAAT
AACAACTGGTTTTTAACAATATTACAGAGATGTTTACTGTTGAATCGCATTTTTTCTTT
TGCCTCTCAAATCCCCGAGGCACTTCTTCTCAGCTCTTCTATAATCGAGAGGAAATTT
TCACCTCAGATGTTTCACAGTACAATTTGAAGACGTACAGTGCCAGGCACTGGATTGA
GAACCTTCACAAAAAATGTCTGCCAGAGACAGATGAGGTCTTCTCAGTCCAGTGCTG
ATTGGTTCTTTTCCGAGGGACCTCAATCCTGCCACTACGGAAACATCCACAGGTTTT
TATTCTTTCTGCCAGGTACATCAGATCCATCAGGTCCGAGCTGTGTTGACTACCACTGCT
TTTCCCTTCTGCTCAGTTATGTCTTGAAGAAGGCTTTGCGGATCCCCGGAGACCTTCGG
>EP07122 (+) Mm MHC II Ia Eka'; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NN
NN
TTTTTTTGTAAATAAGTGGAAAAATTTCTTCTTGAAGGAAATTTTCTTGAAATGTTAA
GTGGAAACTCGGATACTAAATAGGACCTGGTTGCAAGGAACCTTTCTAGCAACAGATG
TGTCAGTCTGAAACATTTTCTGATTGGTTAAAGTTGAGTGCTTTGGATTTTAAATCCCT
TTAGTCTTGTGTTAATCTGCCTCAGTCTGCGANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP14076 (+) Hs CD74; range -499 to 100.

AGAAAAGAAATGTTTTACCCCTGCACGTCTCCTCCTGCGTGTGTTGAGACG
ACATAACGGAGGCCAGAGAGAGGACTTGTCTGAGCTACCAAGGGTGACAGCCCTTT
CTGCACCCACTCATCTGTGGATGAGAAGGGGAGACAAACAAAGGTGTCTTCTGTTTCAA
GTGCTTTCTGTCTAGGGAGTGGACATTTGCCTGTTTCTTGAAACATTCAAAGAGCCTTA
TGAATCAAAGGCTGCCAGAAACAAGTGATGAGGGCCCTGGGCAGCCAATGGGATCGT
GCTGGCCTTTCTACCTGCCTGGGGAGCCCCCGCCCCACATCTGCCCGCAAAGGCA
GCTTCACCAAAGTGGGGTATTTCCAGCCTTTGTAGCTTTCACTTCCACATCTACCAAGTG
GGCGGAGTGGCCTTCTGTGGACGAATCAGATTCCTCTCCAGCACCGACTTTAAGAGGCGA
GCCGGGGGGTCAAGGTCCCAGATGCACAGGAGGAGAAGCAGGAGCTGTGCGGAAGATCAG
AAGCCAGTCATGGATGACCAGCGGACCTTATCTCCAACAATGAGCAACTGCCCATGCTG
>EP16069 (-) Mm Ia-ass. g' (Ii); range -499 to 100.

ATTTGATCACAGTTAGTCTATGATGATAAGTGTGACGACAAGGGCCTTCACACACGAACA
CTGTGTAGATAGGAGCATAGGGGACATCAGACCAGAGAGAGGGGGACTTGTCTAAGCCTC
TTTCATCCTTCAATTTATTCATAGATGAGGGGTAGTGGGGGTGGGGGTGGGTAGACAAAGG
CACTTTCTGCTTCAAAAATAATTCCTTCCCTGGGGAAAGTGCTTCTCTAGAACCCTCC
AAAGAGCCTGATGAATCCAGAAGTCTGCCTAGAAACAAGTGATGATAGCCCTGGCCAGCC
AATGGGATCATGCAGGCCTTTCTACCTGTTTAGGGAACCTCCCCCTTCATCCTGCCAGGG

AGGCAGCTTTGAGTGAGTGGGGAATTTCCAGATTTGTGGCTTTTCAGTTCCACATCTACCA
TGTTGGGCGGAGTGACCTGCTGTGGGCGAATCAGATTCCTTCCAGTATCAGCTTTAAGAGG
TGATCTTGGGGCTCAAGGGTCCCAGACACACAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAA
CAGCAGCAGCAGCAGCAGCGCTGTGGGAAAACTAGAGGCTAGAGCCATGGATGACCAA
>EP17096 (+) Hs CD3 (T3) g'; range -499 to 100.

CACTGCACTCCAGCCTGGGCAACAAAGTGAGACTCTGTCTCAAAAAAGAAAAAGAAAAA
AAAGTGAAAAAAATTCCTGAATGAAGGCCTGGACTGAGGTGGCTTTCCATTTGGAGGTCC
AGCCCCAAGCATCTGAGAGTCCCTCTAAATTCATTACCTACAGCAACAACAACCTAGCAA
CAAGTAACAACCTGGCTACGATCCTAACAATAATGACAGGGACATTTATCTCCCTCATGA
AGAAACGGTCCCAGGACCATCTCCACCCAGCATCCATTGCGGTTCCCTGTGCAAGATGA
GTCTCTGAGTGGGAATCCAGCACTCTCTCCCTCTTCTTCCCCACCACCTTCACCCTCCTT
AACGGAAAAACAAAAGGCATCTGCACCTGCAGCCCTGCTGAGGCCCTGCTGCTCAGCT
TGCAGCAGAGGGTGGAGGCTCTGGGTTCTTGCCTTCTCTCAAAGGCCCCAGCCCCAACAG
TGATGGGTGGAGCCAGTCTAGCTGCTGCACAGGCTGGCTGGCTGGCTGGCTGCTAAGGGC
TGCTCCACGCTTTTGCCGGAGGACAGAGACTGACATGGAACAGGGGAAGGGCCTGGCTGT
>EP11160 (+) Hs CD3 (T3) d'; range -499 to 100.

AATATCTTGTGTTGAATCCTAATAATGTAATAAGACTCTGAAAAATTTTATG
GCTGGGCCAGGCCCCACAGGTAGGCAGTATTGGACCCAGGATTCAAATCTCTGGCTGGGG
TCTCTAAAGCCCAACCTCCCACTGACAAGAAGCTGCTAGATCTGGTGTCCCTGGCTGCCT
AGTGAAGGGTCTGAGAAAGATCAGCCTCCATGAGAAATCTAGCTGCTACGGCTTGCCT
ATGGGGCCGACGGCTTCTCTCAAGGGGCTTCGAGATGTGGCAGTGTGTTAGGTTGTGTGA
AATGTGGTTGCATTGTCAATAGGGACGCTAAAGTTTCAGGCCACCTTTTCCATATTCTCTG
CCAGCTCCCTGCTCAGAGATAGAGCAATTTACACCGCTTCTTCTACCTACCCCTAGC
CCACCCCACTCTGAAAAATTTCCACCATCAACGGCAGAAAGCAGAGAAGCAGACATCTT
CTAGTTTCTCCCCACTCTCTCTTTCCGGTACCTGTGAGTCAGCTAGGGGAGGGCAGCT
CTACCCAGGCTGATAGTTCCGGTGACCTGGCTTTATCTACTGGATGAGTTCGGCTGGGAG
>EP17097 (+) Mm CD8 Lyt-2; range -499 to 100.

TCAAAGTGTGTAGCTGGATCATCCAGTTGGCGAGCATTTGGTGTGGAGGCTGTTGCCATG
GTTCTAAGAAGGGATGAGACTGGGAGGTGAGCTTTGCTCCCTGGGTGGGAGGCCAGGGAA
GGATATTGTCAGCAGCTAAGAGTGCCACTCAAGGCTCCCATGAACTGCCCCCTTGCAAG
TCCCCTTGATGGGAGGTGCAAGTCCCTTCTGGTTAGTGTCTGGTCTGCTCTGCTGGAATC
TCTGTACATTTTCTTTCCACTCAACCTCCAGACAAGAAGCAAAAACAAAAAAGACACTA
CTGCCAGCAAAAAGTGGAAAGGCGAGGAGGGTCTAGAATTCAAGGCCAACCTTTGCCAT
GAAGTGAGTCTGAAGCAAGCTTGGGGAACCCAAGAACCTATCTACAAGAAAAAGAAAAGG
GAGAGTGGGCACTCCTCTCCCTTCATGTCTGTCACTCTCATATTTTTTTTATTAAGATT
TAATCTTTATCCTTCTTCTTTTCAGCCACTCTTGAGAAGAACAATTCCTAAGGTCCCTT
CCAAGTGTGTTTCTTCTTCCCAATCTCAGTTTTCAATTCCTCCCACTTGCTCTGCAAGGG
>EP36009 (+) Hs CEA; range -499 to 100.

AGGATCTGGGACTCCTGAGACCTCTGGGCCTGGGTCTCCATCCCTGGGTGAGTGGCGGG
GTTGGTGGTACTGGAGACAGAGGGCTGGTCCCTCCCAGCCACCACCCAGTGAGCCTTTT
TCTAGCCCCAGAGCCACCTCTGTACCTTCTGTTGGGCATCATCCACCTTCCCAGAG
CCCTGGAGAGCATGGGGAGACCCGGGACCTGCTGGGTTTCTCTGTACAAAAGGAAAAATA
ATCCCCCTGGTGTGACAGACCAAGGACAGAACACAGCAGAGGTGAGCACTGGGGAAGAC
AGGTTGTCTCCAGGGGATGGGGGTCCATCCACCTTGCCGAAAAGATTTGTCTGAGGAA
CTGAAAAATAGAAGGGAAAAAAGAGGAGGGACAAAAGAGGCAGAAATGAGAGGGGAGGGGA
CAGAGGACACCTGAATAAAGACCACACCCATGACCCACGTGATGCTGAGAAGTACTCTTG
CCCTAGGAAGAGACTCAGGGCAGAGGGAGGAAGGACAGCAGACCAGACAGTCACAGCAGC
CTTGACAAAACGTTCTTGGAACTCAAGCTCTTCTCCACAGAGGAGGACAGAGCAGACAGC
>EP36010 (-) Hs NCA; range -499 to 100.

TCCAGGAAATTAGAGTCACATAAAGCTGAGAAAGAACAATTCAGAATCTTAGACCCGG
GCTTTAGCCCTGGATGTGTCCACTCCTAGGACCCCAAACATCTCTGTGACCTCCTTGCTG
GAGGTAAATCCAACCTTCCCAGACGTGTGAGAACACTAGGAACATCCTGCACACATAGAG
GGGTTTCTCTGTACAGAGAAAAATAACACCAGTTTGAGGACCCAGGGACTCTCTGTGT
GGTGCTGACAGACCAAGGCCAGACACAGCAGAGGTCCGTGCTGGGGAGGGCGGGTCGT
CCTGTTATGGAACAGGGGTCCAAACAAGCTTGCTTCTCAGAGCATCTTCTGGGGAAGTGA
ATATAAACAGAAAGGGAAGAGGAGGAGGGACAAAAGAGACAGAAATGAGAGGGGAGGGGA
TAGAGGATTCTGAACAGAGACCGCACCCATGACCCACGTGACCCTGGGAAATGCTTCTA
TCCCTGAGAGGAGGCTCAGCACAGAAGGAGGAAGGACAGCAGGGCCAACAGTCACAGCAG
CCCTGACCAGAGCATTCCTGGAGCTCAAGCTCCTCTACAAAGAGGTGGACAGAGAAGACA
>EP30035 (-) Hs PSg1 (Psb'G); range -499 to 100.

AGCCAAGCTAGACATGATTAGAGAAAGGAAGGGTCCCTCTACCAGGCAACACACAGCTC
ACCCACAGCACAAATGGGGCATATTCTGACAGGGACCTGGTACAGCTCCAGCCTCCTGCA
CTGAAGGGGAGAGCCTGATGGGGATGAAAGAGGCCAAAGGGCGTTAATTTGCACCCCGAC
CCAGAGCCATGGGGACACAGGAGGCTGAGGCCAGGACTGTTCTTGCCCAACCTGCAGG
GTATGTGTCTGACTGTGTGGTCTGTGTGTATCTTCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTG

TGTGTGTGTGTCTGTGTGTCTGCACAAAGTGTGTCTTGAGGTTTGGTGAAAGAATCACTG
CTGAAAAAGGCAGAGGCCGCCACAATTCCCAGGGACCTGAAACACAGACAAAAGGAGAAA
CAGAAGGAGGGACAAGGAGGCAGGACTTAGAGAGGAGGGGACAGAGAGGTGTCTGGGCC
TGACCCTGCCCATGAGCTTGAGAATTGCTCCTGCCCTGGGAAGAGGCTCAGCACAGAAAG
AGGAAGGACAGCACAGCTGACAGCCGTGCTCAGAGAGTTTCTGGATCCTAGGCTTATCTC
>EP30036 (+) Hs PSG5; range -499 to 100.

CAGGTCTGAAGGTCCATCCTTGAAGCTGCAGCCAAGCTAGACACGATTAGAGAAAGGA
AGGGTCCCTCTACCAGGCAACACAGCTCACCACAGCACAAATGGGGTGTCACTGTGA
CAGGGACCCGTTGCAGCTTACGCTCCTGCACTGAAGGGGAGAGCCAGATGGGGATGAAA
GAGGGCAAAGGGCGTGAATGTGCATCCCGACCCAGAGCCATGGGGACAGCAGGAGGCTGA
GGCCCAGGACTCTGCTTGCCCAACCTGCGGGGTATGTGTGTGACTGTGTGGGTCTGTGTG
TGTCTCTTCTGTGTGTGTGTGTCTGCACAAAGTGTGGTTGAGGTTTGGTGAAAGAATCAC
TGCTGAAAAATGCAGAGGCCCTCCACAATCCCAGGGACCTGAAACACAGACAAAAGGAAA
AACAGAAGGAGGGACAAGGAGGCAGGACTGAGAGAGGAGGGGACAGAGAGGTGTCTGGG
CCTGACCCCAACCATGAGCCTGAGAAGTGTCTCCTGCCCTGGAGAGAGGCTCAGCACAGAA
GGAGGAAGGACAGCACAGCTACAGCCGTGCTCAGGAAGTTTCTGGATCCTAGGCTCAGC
>EP11161 (+) Mm Thy-1.2; range -499 to 100.

TTCCGAAGGGCTGCAGTAGCATGGAAAACATGGAAAACAACCAATCCATTCCCTTTGCTG
ATATAACAGGCTCCAAAGCCAAAACCTGTCACTGGAGGCTCAAGAGCAGATCTCCAGCCA
AGAGGCAAAGGAATGGGGGAAGCTGGAGGGCTCCCTCTGGTTATCCAGGCTTCTGAAGG
TTCAAGCAAAGAAAGGGTTACAACCTTAAAGGAGAGCGTCCCGGGGTATGGGTAGAAGA
CTGCTCCACCCGACCCCAAGGTCCTAACCGTCTTTTCCCTGGGCGAGTCAGCCCAAT
CACAGGACTGAGAGTGCCTCTTTAGTAGCAGCAAGCCACTTCGGACACCCAAATGGAACA
CCTCCAGTCAGCCCTCGCCGACCACCCACCCCTCCATCTTTTCCCTCAGCTCCGAT
TGGCTGAATCTAGAGTCCCTCCTGTCTCCCCCTCTCTCCCCACCCCTGGTGAAACTGC
GGGCTTCAGCGCTGGGTGCAGCAACTGGAGGCGTTGGCGCACCAGGAGGAGGCTGCAGCT
AGGGGAGTCCAGGTGAGAGCAGGCCGACGGGAGGGACCCGCACATGCAAGGACCGCCGCA
>EP47013 (+) Mm gp49B; range -499 to 100.

ACTTTGTTTCCACATTATTCTGCACTACAATCCCAGATATCACATGAGTCATACTCTCTT
TTTCTGATGAGGAATGGAACAGAAATTGGGTCTGAGAGTAAACTTCTCTGTGAAGAATT
AGGATGTCAGAGTTGCAGCGTGGTGTAGCACACATAACACACACACACACACACACAG
AGAAATAGTGAGAAAGACAG
AGAATGTGATAGGGGACAGTGAAGTAAATAAATGTTTAAACATAAAGATCTTTAAC
CCCAGGATATGTGTCCTAAAGGATGTGGCTTTTCTCTGAAGGAACCTGAGAGAATGAGTG
TTTACCCAATCATCTGCTCTTAGGAAATTACAGAAAGTTTCCCTTCTCATAATAGCTATGA
TGTAAGAAACCCATGACAGGAAGGACCTGCCCTCAAGATGACAACCTGCATATCTGATGTT
ACAGGACAGACATTTGTCAGACTGGCCCAAGAGAACAGCTACGAACATTGCCTGGACTCA
CCATGATCGCCATGCTCACAGTGTCTATACCTTGGTGAGGTATAATGAGGGGGAGTGG
>EP07093 (+) Mm complement C3; range -499 to 100.

TGTGCTGACCTCCAATCATAAAATTATTTTATTGCTACTTCACAACCTAATTTTGCTAC
TGTTCTGAATTGTAAGGTAATACTGATACGCAGGATATATAATGCAATGCCAAATGTGT
CTCGACCCACTGATTTAGCAAGACCTTGGGGGTAGGGAGAACAGCCATCCAGAAGTGCT
GGGTTACTGGGACCCAGCTAAGTGTGGGAGGAGGTCACTCTAGACTTCAATGGTCTCTGG
TGTAACCAAGTACAACAGGGACCCAGCCAGGTTTCAAGATCTGGCCTTGACCCCAAGAAAA
GCCTGAGCCAAGCAGGTACTTTCAAGCTCCAGGGTAATGGAATGTGCCTAGGGTTACTC
ACCCCAAGGCTTGTGCCCCAGGTTTGTGAAAAAGCTTAGGAACTATGTTGCGAAATTT
TGGGCAGTCCCTGGTGCAGGAACAGGGAGGGACCAGAGAGGAGAGCCATATAAAGAGCCA
GCGGCTACAGCCCAAGCTCGCCTCTGCCACCCCTGCCCTTACCCCTTATTCTTCCA
CCTTTTCTTCACTATGGGACCACTTCAGGGTCCCAGCTACTAGTGCTACTGTGCTGTG
>EP15053 (+) Mm complement C4; range -499 to 100.

TTAGAGAGAGAAACAAGGCTTACTCAGGCCAATTTCCCTGTCTGGGGTGAGAGGTACCTC
ATCTTCTGAGCTATAGGCTTTCTGTTAGAGCCATACCAAGCAGAAGGCTGCCTTGAATAT
GAGGCCATCGACTGGGGAACCCATTCTAGTTTTGTTAGGACCTTTACCTGTCTTATCTAT
GTGTCTGTTGGAGCTGAATACAGCACACATGGGCAAGCACATGTATTCGTACACACAC
ACACACACCCACACGCACATGCACAGGGACACGCACACGCACACAAACACACACACAAGG
GGAAGTCCCTGGTACTGGGAATAACAAGCACCAGATCAATTTTGGGGCCAAGATTTCTA
CAGAGACCCTGGTGTGTTGGGTTGCCTCCCCAGCTCTGGGCCTAGGGCCAGTTCTGTTTCT
TGCCCATCACGTGGTTTCCCGGCTCATGGGGCAAAGGGAGGGGCAAGGTCCAGATCAAAC
TCTGCCCCAACCTAGGTTGATCAGAAGGGAGCAGACAGTCAGACCAGACAGGTCTGACC
TTTCTGAATCTCCAGCCATGCGGCTCCTCTGGGGGCTGGCCTGGGTGTTTACGCTTCTG
>EP40001 (+) Mm complement C5; range -499 to 100.

GTCTTGGGTGACATGGGCAGGGTGTATTGGAGTGCTTTCTTGTGGTGCTGACATAGTA
GCCGTGCGGTATCTCAGATAAAACCAGGTTGGATTTCTCAGAAATTTGCCACCTGGTTGT
GAATCCTATCTTCTTAGTTTCTGCAGGAAAATTGTTGTTATATGGGGTTTCATTTTGTG
TGGGTGGGACAATCTCATGGGAAAATGTACTGCATAGTATAAGGGGCTCAGGCCCCC

GAGCAGAGTCAAGAAATACCAAAATCAGTAACTGGGAAGCTTTTCTCTTTCTGTCTT
CATCCCAGATCAAAGAATCCCGAGTTAGGATCTGGATGAAGGATAAGCCCTGAATTGCT
GATGGGCACACCCACACAATGACCCAGCATCTGAACCTGCTTAACAGGGAGCCGGGGCT
AAACTGCTTCACCTGCCTGGGAACAGGGAGCACTGCATTTCTCCACAGGGTGGAGGAG
AAGCGGCAGGATAAAACCAAGCCTGGGACACCTCCCTCCCATCCAGGTGTGCTCACCTCC
TGTTTGAAAGACGGCAAGGACATGAAGTCAACGTGTACCTATTTGCTGCTGCTGCTGCTG
>EP40002 (+) Hs complement C5; range -499 to 100.

AGGTTATGCTCAGACCATTTCAGCACCAGGACACTGCCATTAGGTACCAAAAAAAG
ATCATCTTGTGAGCCCTGTCTAAACCAGGCCCTTCTAAAATCATTTCAGTGTGAACTG
AGTCCAGGTGGGTCTTCATCAGTATTAGAGTGGACCTGCCAGATGTATGCTTGCAGATGA
TGCAACATCAAAGCAAATGCCTGGGCAAGAGAAGAAAGGCCAAAGCAATGGGCTTACTG
GTTTCTAGCTTTGAGCCACTCTTCATAGTGCCAAATTCCCATTTTAGGGTCCCTTTATTT
GTATTAATAAAAAATAAATTCCTGGGTGTAAGTTCCTGTAAAGTACTCCCTATCTGTATT
CCTGGGCATGAAAGGGTGTTTTAGTTCCAATTCTAGTTTTCCCACTTAGAGGTTCACCTT
TCTGACATTAATAATTAACAGATTATCTGAATTCCTCAAGTTCAGTTTATTTAAAAGGA
GACTATCCTCAAAAGTGTATATCCGTGGTTTCTGTACCTCCAACCATGGGCCTTTTG
GGAATACTTTGTTTTTAATCTTCTGGGGAACCTGGGGACAGGAGCAAACGTAAGTA
>EP40003 (+) Hs DAF; range -499 to 100.

TAGAGGGCCCAAGACGCGGGTAGAGCACCCTGCTCAGCGCCTGAGTCTCAGCCCCGAA
CTCCACCGCACCTGCAGGTCCCTTGGCAGCACTCAAGCGCGGGGATGCTCCGCTTAGAC
GAACTCACGTGCGGGCAGCAAGGCCTGCGATACTTGAGCACCCCTCCCTCTCCCGTTT
ACACCCCGTTTGTGTTTACGTAGCGAGGAGATATTTAGGTTTCTAGAAGGCAGGTCATCG
CAGGCCCCACCCAGCAGTGGAGAGAGTGAAGTCCCAGAGGGTGTGCGAGCGAGCTCCTCC
TCCTTCCCTCCCACTCTCCCGAGTCTAGGGCCCCCGGGCGTATGACGCCGAGGCC
TCTGACCGCACCTCTGACCACAACAAACCCCTACTCCACCCGTCTTGTGTTGCCACCT
TGGTGACGCAGAGCCCCAGCCAGACCCCGCCAAAGCACTCATTTAACTGGTATTGCGG
AGCCACGAGGCTTCTGCTTACTGCAACTCGCTCCGGCCGCTGGGCGTAGCTGCGACTCGG
CGGAGTCCCGCGCGCGCTCTTGTCTAACCCGCGCGCCATGACCGTCGCGCGGCCGA
>EP40004 (+) Hs C4BP b' A19 mRNA; range -499 to 100.

TCCTCACCTCTCTTTACTCATTTGGTTAACTCTGGACTCAGGCCAAATCCTGTCCCTG
GAAGAGCCACAAAGTAGGAAGCCTGGGTACAGGCCTGGCAAGCGAGAACAATGTGCTACT
GCAGGACTTTGGAGCTCTCAGCTTTGGAGTCAGTTAAGACCAGTTCCTTGCTGGGAAGCC
CTAACTCTGGAGGGCAGAGACAGGTAAGGTTAGTTTACTTCTTGAGCTTTCTGCTTCA
GTACTGCTTACAGCCTTAGGATATCTGGTATTACAGAAAGGAGGATGAGGTAGCATTCAA
AATTGTGTTCTACCTGGGCAAGAACCAGGGATTGACAGCCCGTTCTCTTTCCCACTGCT
GGCCAGAGTTACAGAAGTTGGACTGTAAACATTGGCAACTATTGACAGAAGTCAAGGTCA
TGGCAAGACCATTGCCCCATGTTTGTGGGGAAGGATAAGCCTGCGTTTCAAAAGACT
GGTCAACTGGATTGTCATTCCAGAAACCAGGAAATTTCTGAACTGAGTTTTAAACCTG
GCAACTCTTTTACCATCCCTTTGATTTTTGTCAGTTCCTCCCTATACCAGCTTCCTTACA
>EP73002 (+) Hs RPL7; range -499 to 100.

CGGGAGGGCGGCCAAAAGTGACTTCGAATTGCAGCTAGCCGTTTGAACGTGGCCCAAGA
GGCTCTCATTTTCTGGCTGGAACCGTCGCGCGGGTGTGCTGCGGTCTGGTCAGCC
GTTGCCCTCCCGCCGGGCGGGCGAAGACTGGTGCATGCTGGGATTTGTAGTTCGTCCCCA
TGAGGCTCGTCTGGGAACATTATGGGGAGGAACGGAGCCTAATCCTGTCAGCGCAGCCT
GGGGATTAGGACCCGGAGTTGCCAAGGTGTGAGCACTCTTGTCTTGAATTGATTAATA
AGTCTAATCAATGCATATATTTTCTTCAAACAAGTTTTACCCGAAAGTTTGTGAAAGA
GGCTAAATCAGGGAGTTCTTTGCGTCTGCAAGGCGGCTTTTAGTTCTGGATTCTTTTCC
GGCTTATTCTAAGACACCTATGAGTCGTGGGGCTTCTCTCGCGAAGTCTTAAAGTGGACA
GTACGCATGCGCCAATCTCTTTTCCGGCTGGAACCATGGAGGGTGTAGAGTGAGTT
GCTTCTGGTCTCTTTGAGAATCTCTCCATCTCCAGAGCCAGATACTTTTGTGTCCT
>EP73003 (+) Hs RPS8; range -499 to 100.

GAACGTGTCCAGAACAGCTCTACCTTAGCCTACCCATCTCAGTAAATGGCCCCAATAT
TTATCCGATTGATCAAGTGACAATCTTAGGAATCCTTGACACCGCCCTCTCCCTCAATCC
CCATGTCCAATCTACCACAAACCTTCAAAACAAACCCAAAGTCCACACTCGTTTCCAA
TTCCATTGCCTTCCACTCTTTTCAACGCAGCCGACCCACATCTCATCTAAACGACCG
CAGCAGCCTCTGAAACTAGTCTAAACACGCCAGATCTGCCGACGCCGAGACCCCTTC
CCCCAGCCCAGGGTCGGAGGCGAGTCGCCGGGGTGGCAGAGGTGAGCAGCCTGCGAGA
CCCTCCTAGGCTCGTGGCCCTAGGCGCGGAGCTGACACGTAAGTCTCGTCGCCCGACGT
TGTTTTCGGCGCTCAGAAACAACGTAAAGTAAAGGGGCGGGGCGAGCGTTTTACAAACCGAA
CCGTGAATCTTTGCGGTTTCTTTTCCAGCCAGCGCCGAGCGATGGGTGAGTGTGCTCT
GCATTGAGGCGGGTGAAGGGAGGTTGAGCTCAATCAGGCCCCATCTGCTTACAGCCTA
>EP73004 (+) Hs BZW1; range -499 to 100.

ACTCAGCTGGAGCGAACTCCGCCATCCCGGCCAGGGCGGAGGCGAGGTGCGGATTCCTT
CCCCAAACCACGCCCCATGCCGCCCCAGCCTCCGCCCCGCACGACCCGAGGGCCCC
CCGCCCTCGGGCTTCGACTTCCGGTGTGGAGGAGGGGGCCGGCGGCGAGGGACTCCAGG

AGGACGCGTCCAACTTCGAGACCGGGCGGGGCGCGCTCCGCTCTTCCAACCCCTCCATGT
GTGAAGAGGGCGGACGACGACGCGGGGGAAGAAAAATAAGCTAGTCTAGGACAAGTGTCC
AGGCGACGTGGAACCCAGTAAGGGAATAAAGAAGACTGGAACGTCTCTCCCCTCCCCTA
TCCAGTCCCTCACCTAATCCGCGCGCAATAGAAAAGGCGGAAGCGCCTGTCCACGATC
AGGGCGGGGCAAGGGGAAGAAATCTCGCGATAGGAGAGCGGTCCGGGCGGGGGTGGCACC
TCTCCCTCCTCTGGCGTTAGTTCCGGTCGCAGAGGAGACACCGCCGAGTTGCCGGTAC
ATCGGGGATTTCTGGCTCTTTCTCTTCGCTTAAATTCGGTGAGACGCGGCGCCCCGCT
>EP73005 (+) Hs RUVBL2; range -499 to 100.

GGGCGGGGATTTCCGCGTGTCTCATTGGTGGAACGGGTGGAGTCGCTGTGTCCCGGCC
CCGCTCTGGCCGTGAGACCTCCAGGGGGCGGAGCTTGCCGCTGCGCTTACGGAACGAG
TGGCCTTCAGCTCTGTCAATCTGGAGCTGGAGGCCTCAAAGTGGGAGGAGGAGGAGGGT
GGGATAAAGAGGAAAGGAGCGTGAGGACGTGTGGTTACTCAAAGAACAGCTAAGAATTT
TGCAATCGGCCGTGAGCGGGGCGGTGGTGGGGCTGAGCAAAAGGAGGAGGAGCCAGGAGAC
ATTGGGAATGGACCCAGGAGTTCCGGACGCCCCTCTTCCAGCGCAGCCTCGGTGGGAGGG
CGGGGCATAAAGTCCCGCCACGCCCCACAATATTTACATATTTATGAGGAACCATCGAG
ATCTTTGAAGAACCAGCTAGCCTAGAGGAGCCAGAACATCTCGTCTCTCGCGCTTTCCG
TTTCCGCTAGGACTCTGGCAGTTGGTGAGCATCATGGCAACCGTTGTAAGTGTGGGTGCA
TGGAGGGTGAGGAGCGAGCTAGCAGTCTCGAGTTTGAGAGAGGAGGATGCTGGAGGCCCT
>EP73006 (+) Hs CAV1; range -499 to 100.

GAACTTGGGCGATGGGCGGGGGTGGGGAGGTGGGAAGGGACGGCTTAGGACAGGGGAG
GATTGTGGATTGTTTCTGCCGCTTGTTGCCATACTGGGCATCTCTGCAGGCGCGTCG
GCTCCCTCCACCCCTGCTGAGATGATGCACTGCGAAAACATTGCTCTCCCCGGGACGCC
TCTCGGTGGTTCAGAGCAGGGAATGTTGCCTCAGGTTTAAAATAATCTGCCAAGCAC
CCCAGCGCGGGAGAAACGTTCTCACTCGCTCTGCTCGCTGCGGGCGCTCCCCGCCCTC
TGCTGCCAGAACCTTGGGGATGTGCCTAGACCCGGCGCAGCACACGTCCGGGCCAACCGC
GAGCAGAACAAACCTTTGGCGGGCGGCCAGGAGGCTCCCTCCCAGCCACGCCCCCTCC
AGCGCCTTTTTTCCCCCATACAATACAAGATCTTCCTTCCTCAGTTCCCTTAAAGCAC
AGCCCAGGGAACCTCCTCACAGTTTTCATCCAGCCACGGGCCAGCATGTCTGGGGGCAA
ATACGTAGACTCGGAGGTAGGCATCCGTGGGGGGGCGCCGGCTCGGGCGTGCGGGGAGTG
>EP73007 (+) Hs IF; range -499 to 100.

TTTTTAAATTTCTGTACTCCAAAAATACAATTTGATCACAGCACAAACAAATGCATGGT
AAAGAAGCTGGTTCTAGAGTTTAAATGTATTTGCAGCCTTCACTATATGGTCTACTT
TTATTTCTTACTGTCTCTAGTCTTCAACCTTAAGTTTAAAAAATTATATTTTACTGTAC
AAAAAATAAACCAAAATGCTTCCAATATAATTTCTGTCTTCCCTGGAATACAGAATT
GAGTCATTGCAATTAACAGGGTGGGAGGAAATCAGTCTCTTCTGGTGGAAACAAGTTCCT
ATTGGTCACCTCCCTCAGCTCTTAAATGGGAAGGCCATTTTTTGGTTTCAGTTACGGTAA
ATCTCTCTGGATTTAGCCAAATTTTTCAGAGTTCAAAAGTACAAAGCTCTTAGGAGG
TTTGTCTTTTGAACATTTTTTCAGAGGTTAAAAATTAATTTCAAAGAATACCTGGA
GTGAAAAGAGTTCTCAGCAGAGACAAAGACCCCGAACACCTCCAACATGAAGCTTCTTC
ATGTTTTCTGTATTTCTGTGCTTCCACTTAAGGTTTTGCAAGGTAAGTAATTCAACCT
>EP73008 (+) Hs PDHA1; range -499 to 100.

GC GTTCAAGTAGACAGGGCAGAACTGTCCAACCTGCTACGTGATCTTTTAAAGACAAAGTT
AGTGGCAGACCATTTACAGAAACCAGATGTTCTGTCTTTGGCTCTGAGCATGCTGTAA
TCTTCATCATCTAGTGTACTGAACGAGATGTACTGAACGAGGGCTGCAGAGCTGCAGCAC
CGGCAGGAGTAGGCGCTCGGTAGGACGGGGCTGCACAACCTCCCCGGTAGTCAGCAGAG
CGGAATCTAGGAAGGCTCCTTTCCCGCGGCGCCCTGGAGGCGGGGGCCCCACCTTCCAC
GCAGGCGCTATCAAGCCCCGCTCCTCACCCGCGCGGCGTGGCGTCGGAAGAGCCCT
CAGCCCCCTCCTCTCTGGCGCTGATACCCAATGGGCAGCCTCAGGCCTTAGCGGGGCG
GGGCACCCCTGGACGCGCTCTGTGGTTGGCCCGCGGCCGCGCAGCGCATGACGTTATT
ACGACTCTGTACGCGCGGTGCGACTGAGGCGTGCGCTGCTGTTGGGACCTGAAGGAG
ACTTGGGGGCACCCGCGTCTGCCTCCTGGGTTGTGAGGAGTCGCGCTGCCGCCACTGC
>EP73009 (+) Hs GJA1; range -499 to 100.

GCTTACATTTAAAGGAAGGAATTAGATCATCAACAGGTCACTCACACCTACCTCTAAC
TTCACACACCTTGGTCAATGTGAAACAAGCTTGAAGTGGTTATATGCTTCCCCACCATTT
TTATTTATTGTAAGCTACTTTAAAAATTTAGACAATGTTGTAATAAAAAATATACACCTT
TTTCCCCATTATCCCTGGTCTTCTGGTGAAGCAAGCAGTGTAATCAATGATTCTTATGT
GTGAGGAGCAACTCCAAGTAGAGGCGTTATGTCCCTAATGCTTTTTTATTTTCTCAT
CAGCAAAATTTAAACTACAACCTTATCCTGATCCCACTGCTGCTCTTGGCTCTTCTCCC
CCAGCCCTTCCACATTTACAGCCTCCTCCCTACCTCCTCCAGCCTTTCCCTTTGCCCT
CCCCTTTCTTCTAGCCCCCTCCTCCAGTTGAGTCACTGGCTTGAAGCTTTTAAAGCTCT
GTGCTCCAAGTTACAAAAAGCTTTTACGAGGTATCAGCACTTTTCTTTCATTAGGGGGA
AGGCGTGAGGAAAGTACCAACAGCAGCGGAGTTTAACTTTAAATAGACAGGTCTGAG
>EP73010 (+) Hs CD9; range -499 to 100.

CCAGGCGGCTTCCCTTTAAATCCTCGCAAAGCAGAAGGGCCCCCTCACTCTGGCAGCAGGC
CTTGGCCAAGGGGCTTTAGCCCTGACGACCCGGGAAGAGTCTCCCAAAGCAGAACGCC

CGGTCCGGCGCCAGACAAACGCGGGGAACCGGAAGGGCGAGGCCTCCACGTAAGTCC
GCGGTAAAAGTGGCAGGGAGTGGCTGCCTGCAAAGACCCCAAGACGGCTTGAAGAAGGAG
TGGGTGGCGGGTGGGGTTAGGGCGACTAGGCGGGGAAACAGGGAGAGGGTCGGGCTCCG
CGGGGCGAGCTGGGGCCGGGGCTCGCGACCTGGGCGGGGGCGGGGGCGGGGGGGTTCG
GCCCGGGCGGGGCCGTGGGGCGGGAGGCGTGGCCGGCGGGGGAGTGGGGGCGGCTTTT
CCCGGCACATGCGCACCGCAGCGGGTCGCGCGCCCTAAGGAGTGGCACTTTTTAAAAGTG
CAGCCGGAGACCAGCCTACAGCCGCTGCATCTGTATCCAGCGCCAGGTCCCGCCAGTCC
CAGCTGCGCGCGCCCCCAGTCCCGCACCCGTTCCGGCCAGGCTAAGTTAGCCCTCACCA
>EP73011 (+) Hs NTPBP; range -499 to 100.

CTCAAAGGGTCTCGGTGCTGCCAGCAACCCTGGAGACTGCACCCTGCTCCAGTCCCGGC
TGGTCCAGCCCTGAACTGTTTAAACCGCCTCGGCTACCGAATAAGCCCGAGCAGCCGGTCC
TCCAGTGGCTCCGCTCCCCGTCTCTGTGGGCTCAAATGACAGGCATGCTCCTCGTTTT
CTTGCTGTGTGAGCCCTGCCCTCGGGACCCCATCTCTTCTGGCCTTCTCCGGGAGACAA
AAGCCCTCCCAGGCTGCAGAGATCAGCGCCCTTTTCTAGTCCCTTCAGCCTTCTCTC
GCTTGCTCAGCGCCCCACTTCTCGCCACTGTCACTAGTTGACTCATCAGCCCTGCCCCG
ACGCTAAGAAGATGCCCTGGCAACCGCGCGCCCTCACCCGCTCCTTTCTGACGCTGTG
GTGGTTTTCTGTCGACGCCAGAAAGATTGCGGAAGTTTCTTACCCATGCGGTGTCTCTA
TGGTCGGGTGGGTGGGGCCAGAGGAAGATGGCGGCGTCCGAGCTGCCGCTGAGCTCCA
GGCTTCTGGGGTCCGCGGCACCCAGTGTGTCTGTTGGTGTGGGAATGGCGGGATCCGG
>EP73012 (+) Hs MGC3248; range -499 to 100.

TCAGCCCTAAGAGGAGGGGGTGGTCAGATGATACTGCTGCCCTCGGACTGCCGAGGACAC
AAAGCCAGGCCATAAACCTGGGAAAGCGGGGTGAGAGTCTGCGTCCGCCCTTCCCGCA
CCCCCGGCACCTTTTCTTCTCTCACAGTGAGGGGCTTCCCGGAGGCTCGTCCATCG
GGCAGGCGACAGAAACGAAAAGAGCAGCCGTGCGCGACCCAGGCCTGCCGACACCGGGAC
CCAGTTGGCCCTGGGCGGGGAGGCGCCCCAGGAAGGAATGGGGAGCCCGGGATCGCACC
CTCAGTGCGCATCAGCTGACCCACGCGGGCCAAGCGCGCCCTAAACTCCGGCCAATTAA
ATCCACCATTTCGGCCTGCGCACGCGCAGCCGTAGACGGCCGAGCAGTGGAGCGAGGCCGC
CTAAAGGAGAGCCGCGCTGTCTGATGAGTCCCAGTGGGCCACCTGGAGCGGAAGTGGAGGA
GCGGCCGGAAGTAGCCGGAATCTCTGAAAGACTGACCGACTGACTCTGACAGGATCCGGG
GCTGAGGGAAGGAGGCGGCGGCCATGGAGTTGGGCGAGCTGCTCTACAACAAGTCTGAGT
>EP73013 (+) Hs CRYZ; range -499 to 100.

GAGACCACCCCTCAGAGGAGCAAACACAGACATGCTGGATCCGGTCGTCAGTGGATGGGA
ACAGGGCTCCTGAAGTTTCGACTAGAAAGCAGGCGATGGACAGGCGCAAAGGGCCCTCA
CCCGGTCAAGGAGTAGGATGCGGGCAGCGCAGGAGCTGGTGGTGAAAACTGATCTCGCA
TGTTTCAGAACTGCACAAGCTCTACCACATCCTCGTCAACACTGCCCTTCCGGCTGAGGT
CCGCTTTGCTCAAACATTGCGCCTTCCATTTCTGAACTCCGCGCTGCGATCCATGGGTG
ACGGACTCAGGGTCTGCGCTCGGCTCCTTCATGGTAGCCTCGTCTCTCCCTGGGGGACGC
CATATTGAAGCGAGCGGTGGCCGAAAAGGTCCAACTTCTCTTCTTAATTTGGGA
AATTCTAGTGCCTTCGCTAGGGGTGGAGAGAGGCGCACATCCTGGGTGGAGCGAGGCGC
ACATCCTGGGTGGAGCCTGCAAAAGTTGGAGAAGGTGTGGCAGTCTCATTTCTGTGGAA
TCTGAAGAAGCCACGCAGATTTTAATTCCCACTCTAGATTCTGGTAAGTGGTTTTAAAA
>EP73014 (+) Hs LMCD1; range -499 to 100.

CTCGCCAGGTTTGGGAAACGTTAGCCAGCTCCTGCAAAACACCTCCTCCCTCAGCCCTC
CCCGCGCCCCCTACGACCAGGCAGAAAGGGTGGGAAGGGGAGCACAGCTCAGCATTTATT
TCTGGATCCAGCTCACTAAAAATACCTCGGCTCTCCTGTTTGATCACTCTCCCTTTTGAC
CTGAATGGATCGCGGGAGCCGCGCGCCCGCCCACTTCGGCCCGTTGCCCTTTAAAGG
AAAAGGGCGTGGGGACGGATTCTGCCGCTCGAGGGATAGAAGGGAGCTGGGTAGTCAGG
GGCCGCGGCCATGCTGACGTGAGGCGAGCCGCGCTCAGCTCCGCTCGCTGCCACAGTGC
AGAGACCTCCCTGAGGGAGGGGACAGCCTCGCGCTGGGATTGGCTGGCCTCGCGCGAGC
GCCGGCGCGGAGTGGCTGGCGAGGTTTTAGAGGGAGTCCGCTCTCCAATTAAAGCGGCC
CAGCTGCGCCTGGCTGCGCACAGAGCTCCCTCCCAGGCCCGCAACTTGGCCATTACGCC
GCCGCTGTCCCCGCTGCGCGCCTCGCGCCTCTGCTGAGAAGCCAGGCGCTGTTCCCCC
>EP73015 (+) Hs RPS11; range -499 to 100.

AGAGTAACCTTTCACTGCACCTCTGAAAGTTCTGTGGGAGCTCCTGCCCTAACAAAGATG
GCGACGCCGCCACACATGCTCCTAGCACTCCCGGCCGCCACCCTTCAAAAAGATGGCA
GCCGCCTCATCCGTTTGAAGGCTGAACGAACAGAGCCACGCGGTATCCAAATCCCACGG
GAGCCTACGCCACGCCGAAACAGGATGGACTCCGTACGACTCTCGCGATAATACGGGCGG
GCTGAAGGCTGGTCACATCTTCCCTGCCTAAATAATCGCGCCCGGCGTTGTGGGGCCTAA
GACTCTCGCGAGACACCGTCTAGCACTTCCCGCCCGTCACTCCTTACAGTGCCCAATC
GCCCGCTGGTTTAAAGTGCAGCCTGTCAATCAGAGCAGCTCTCGAGGCCCGCCCAAGGCC
GTGCTGCGTTTCTCCTTACGTCACTTCTCTCCAGCCCCGCGTAATCGATAAGGAAACC
CGGACGCTGCTGCCCTTTCTTTTTTTCAGGCGGCCGGGAAGATGGCGGACATTACAGGTG
CGGACTCGGGGTTGGATGCCAGGCTGCGGGGTCCGCCTTGGCCTTACAGGGCGCGTCCGG
>EP73016 (+) Hs RPS12; range -499 to 100.

TCATGAAGACAAAGATGAGGATCACACCACAACGACACAAACATGGTCTCTCAGGGTGA

TTAAGCAAAATAGTGCTAAGCAATCACCAAGCGTTAACTACTAATTTTCAGTGTTAGGTAA
ATTTTAAAAAGCTTTCCGGAGAATTGGCGTCCTGCACACCAAGTCTCGTTCAAAATAATGC
AGGCGGGGGGCTGGGGTGGGGGCGCTCCTCTCGGACTGAGGCTATGTCTTTCGCTCCTTTT
GTCTTTTCCAGGCATTAGAACTGTCTATGGCGCCTTCAAGAAGAGGTAGGAGGCCCTCTCT
GCGTCCAGCAGAACCATCTGGGGCACCTGGACCGGGCGGTGGGGTGGACAGAGAGACGAG
CCCCAGCTGGGACCGAAAAACATCGACCCCTCCGAGAGGTCTCGGCCGGACCGGCGCAAGG
GGAGGAGAGCGGGTGGAAAGCCACCCACGCAACGCCCAGGGGCCGGGCCCGCCACCC
AGAAGCTCACCCAAATGGAACATGCCGGCGGTGCGGCACCGCCAGCTGTTGGTCCGGCGC
CCGAGAGGCGCGGGGCCGAGTTCGTTTGCCTGCGGAGCAGCAGCTGTGAGGGAGTCGCT
GTGATCCGGGGCCCCGGAACCCGAGCTGGAGCTGAAGCGCAGGCTGCGGGGCGCGGAGTC
>EP73022 (+) Hs CPSF3; range -499 to 100.

GACAGCGGCTCGGGAAGCTGCAGTCCGCAAGCCCACGCCGATCTGCGTGGTTCCAAGCT
CCTCCACCCGCGCCCCGGGAGCGCGGCCCGCCCGGAACCAAGCCGAGCCAGGCATCC
CTCCTCCGCCCCCGCGGGCCCCACCCATCCTTCTGGCGTCCGCGCCGCTCTCGGGA
CCGTGTTCCCGTCAGGCCTCCGCGAGCTCGGCCCAAGCGGGACGAGGGCTGGGCGCTCA
CCTCGCAGCCGCGGGCCCCATCCCGGGTTGCGGACTTCGGGGTCCGCGTGGGAGTGCCGC
GGCCTTTGGCGCCAGGCAGTACTCCCGTTCCCGCTCCAGCGCCGGCTTTTCCAGCCCT
CCTGCCCACGTCCGCGGGGCCGCGCTCCAAGACTATGCGCAGGCGCAGTCTGACGTCC
TACCCCGGTTCCAAGACCCCAAGTGGTGGGAAGCCTCGCGAGCGGCTCCCCGACCGG
AAGTCGAGGGGAGGAGTCTAGTGCCGCGGGCTCCGGAGTGACGGAAGTTGTGCTCTTGGT
GAATGGGGTTCTTCTTTTTTATTTACCGGTGGCTGTGCTTCCAATTTAGGAAGACCCCG
>EP73023 (+) Hs MGC2668; range -499 to 100.

TTCCAAATCGACAGCAAAGGGGGCGGCTGGATAGCGAGTCGCCCCGCTCAGGAGAGATTCT
GGGTGCGAAATAAAGATCTGGGAGTCATTTATAATTCCAACCAGACGAGTAGATGGGCTG
GCCCAAGCGGTGTGTAGACTGAAGAGATTCTAACTCATGCAAGATAAGCAGCTACGTGGC
TCACGGTCACGTCGCAAAAAACCTGGGGGCTCTCTCCGCTGCTTGTGGTCCCGTACAA
GGCGCTTCCACCCCTGGGTCTCTGAGCCAGTCGGTGAAGACGGAAGGAGACCGATTCA
CAGCCCCAACAGCGCGGTGATAGTCCCTCTGCCACCCCTTTCCCTCCGCTGCCCTCCCC
TCCCTTCCCTTCCCTCGATGACTTCTCCAACAGCTGACGAAGCTGGATCCCTGGGCAC
CGCTCTTCCGTCCGCGGCACCCGGAGACGCCGGAATTTGCGGGCGCGCCGGAAGTTG
AGGGGAGTTTCTGCGAGCTCGGCTTCTCAACATGGCTGCGCCCTTGTGAGTGGAGGTG
GAGTTCGGGTGAGTCACAGAGCTGGGGCGCGTGGGGATGGATTGAAGTCGTCGGGCCCA
>EP73024 (+) Hs DKFZp564K142; range -499 to 100.

TACTTTTATTTTTTCACTTTGAAGTACTTTGGAGGCAGGATAACGGACTAAATAGCTCTT
ATCCCTCACGCGCTAGGTCCATTTTTCTAGAATATTACATGAAGGCGGCAATTTCAA
GGACTTCTAAATGAGTCTTTGAAAGATTCTGTTCTAGCAACTTCAAGCCATTTTGGACTC
CGAAAACCTCCGCAATATTTCACAACTGCGCATGCGTGCTTGGAAAGCGTCAGCGCGTAG
ATGTTTACGTATCGAGAAAGGGGCGGGTCAATTATCTTTAGCGGACCAATGAAAACGCTCC
AGATTATCTTTTTTCTATTGGCCGACCGGGGCCAATTAGAAATCAACCTTCTTTAGCGG
GCGTGTAGCGCCAGCGCGCTGTGACGTAATGTGAGGGGTCTCCCGCAGGGCTGAGCTGG
ACCAATGAGGAAAGGCAAGGGGCCGATTTGCTGTTCTCACGCCCCACCTCAGACCTAG
CCGGAGCAAAGTTTCACTTATAGAAGGGAGAGGAGCGAACATGGCAGCGGTTGGCGGTT
TTGGTGTGCTCTGTGACCATGGTGGTGGCGCTGCTCATCGTTTGCAGCTTCCCTCAGC
>EP73025 (+) Hs MGC2714; range -499 to 100.

TACTGTCTCTTATCGGAGAGGTGAGTCTGTGAAATAATGGCAGAGCTAAGTTTCAATA
CAGGACAAAGTGATATGCAAAGGTAGGGAGAAGGGGGAGTGGGTGGCTGATCACAGGCC
ATAAAAAAACACGCAAGACACAGGGTGACAATGCATTTACGGGTGGGAACACTTCAGG
TGAGGTTATCGTGTGGAAGAGCTCAGAAGTGGAACCTGGTCTACTTTACCAGTTGTTTT
TAACGTCAACTGCAAAGTATTAGTAGTTTCACTTTTTGGCGGTGACTGCCAGCATCAGAG
CGCGGTAGAAGCTTCATGAGAAAGGTGAGGATAACCTGGACAGGATACAAGAATTCCGCG
GACTGCCGAGTCGACGGGTGAGACAGCTTCGCTCTGCCTGGCCTACCTACGAGTGGCAG
AGGCTAACCGGAACACGCCCCCTTCCGGGACCGGCTCCGCGATTGCGTCACTTCCGGGC
CTCAGCGATTCCGCTCCGGGTAGGCTGAGCCTCTTGCTTGTGACTGGTGGAGCTGC
CGCGCTGTCCGCTTATCTCTCCCGGTGAGAACGAACCGCAGTGTCACCGCGAGGAG
>EP73026 (+) Hs MGC11061; range -499 to 100.

CTCTGGCCTCAGTTTTCTCCCTCATAAAGGAATGTATCTACAGCCCTAGTCTCTGGGTGG
CGATTTACGGCTTCTCTGCCTTTTATCTTCATTCTCCGATCCATCCCTCTTCATCTTACA
GGTGAGGAAACTGCCATCCAGACATTACATATAACTTAGTCAAGATCTACACTATTAAT
TAATGGCTAATGGCAAGGGAATCTTGAGATCCTGTACGGCGGCTGACCCATAAAATCTAC
CTAGTTCTAAAAATCTTTAAACCCACCTTAACAAAAACGGAGGTAATAGGTAACAAAA
ACGCCAGGAAAGATCGCACTTAAAGGAACAAAGACCCCAAGGAGGAAAAAGAGGCCTGA
GATTTCCACGAATTACAAGTGAACCTTCTGTCTGGGTAAACTTCCGGAATCAACAACAG
GAAGACCAATCAGAATCTTCTCCGGGAGCCAATGGGAGAGCACATTACAAAGAGCCAA
TCCAGCGCCGCTGTCACTGTTATGGTCTGTGAGGGTGCCGGCGTGTGGTGTGGGT
GGTCGCCACCAAGAAGACTTTGGTGGGGTAGTCTCGGGGACGCTCAGCGGCCGCTGTGC
>EP73027 (+) Hs MGC15429; range -499 to 100.

TGGGAGGCTGTGAGAGCGTGGCGTTTACTGCTTATTGCTACTCTGCAGAGGTTGGCAAC
ATCTGACCCGCTCTACTGGCAGGAAACAGGCTCGGGGGCATTGGGAAAACGATCAAGGCC
ACTTGGCTGGAACTGGCGGAGCCTCGCACTCAAACCTGTGCGGCCTCAACTCCGTGCCA
GGCCAACAAGTTGCCCTGGGCAGTTCAAGCTGGGGATAAGGGGGATGGGGAGCAGGAAGA
CAGCAGCAAGGATGCGATCCCGAAGGAACCTTCTCCTCAGACTGCTCCATGTCCATGTG
GGGCAGGTGCTGAAGAGTTGAAACCGTGCTCAGCACCAGGCTTGGGGCATGTGAGACC
GAGAGGCTTTGGGAAACTGACGCCGCTGTGAGAACGAGTTTAGCGGAGTCTATGGACGCT
GCGAGCTTGTGGCCACAAGAGGGCGCCCCGGAGCACGGCCAGTCCCCGCCCCGCTGGA
TGGGGCCCGGCTCTTCCAGCGTTCTCTCCGGCCCCAGGTACCGCCAGCACGCGCC
TGCTTCCCGTCTGCGCGAGTCCACGCAGTCCCCAGGTACCCGCCCTGCACTCTGACCC

>EP73028 (+) Hs FLJ14800; range -499 to 100.

AGAGCTCGGGAGGGTACACAGCATAAACAGTTAAGCGCGCAGGCTATCGAGGCCAGCCTTC
GGCCCATCCGTAAGAGATAAGATTTATTTTATAAGGCTGCACCGTGGATTAAATGG
ACATTCGGTAAAGCTTTTATTTTCACTCCAGCGCGGAAGGAGGGCTCAAGTAATACTCGC
AACGTTTGTGCGAGCGTGGCCACCTTCTCCGCCCGTCCCGTCTCCCGCGCCGCTCAAG
AGCCGCCCCCTGTCCGCTCAGCGGCGCCAGGCACCCAGCAGCGTCCGCGTGCCACGT
CGCCTTCGCTCACCCAGCAACAGCCGGGTTGACCAGACGGGGCCCTGAGCTGGGTACC
CAGGGCACCGGGCCGCGCCCCACACCCTGCCTGCGCCTTCCGATTGGCTCCTGCAGGTGC
CCGTCGTGAGAGCCGTTGCTGATTGGCTTAGATGGGGGACGGGGCGGGCCTCTAGGAGT
GAAGGAAAGGCGGGGACCCGATGTGTGTGGTGGCGGCGCCGAAGAGCTTGTGTGCGGA
GCTGAGAGGCCATATGGATGAGGAGGACGCGCGGCCCGGTAGGCGGGGATCGGGGGCGG

>EP73029 (+) Hs FLJ14904; range -499 to 100.

AATGTACTTTTAAAAAATTCGAGTTTGTGCTTCACTGGTTTTTGTTCATCCTCTCCCTC
CATTCGATTGTAAACTTGAGGGCAAGGAAGACCTTGTATGTTCTCTACATATGTTCTC
AACACTTTTACAGTGCTTGGCATAAAGCTGGCTGGCCCTTTGTACCTGTAAACGCGGA
AACACCCGAGCTCCTCTTTTCTCTACCTACTTTGTGCGACATTACGAATAATGTACA
GAAATTGCTCCAGGCTCCACGTGACAATGCCTCCGCTGCCACGCACCCAGCCAATCA
GAGCACTTGGCACCTGCGACGCGCTCTCCCCACCTCACCCGCAAGCGGACGAGCC
GGAATCTTCCAGTCTCAGGCTGTTTGTTCGCCGCGGGGCAATGCGACTGCGCGTCTGCTT
CCTGATTGGCCGAGAGTTGCGGGCTGCGTGCGCAGGCGCTACCTCTGTTACTTAGGGCG
GGAGCCCGCGAGGGCGCCGCTGCTTTGTCTGTCTGAGGCCAGGAAGTTGACCGCGCT
GCCATGCCGAACCGTAAGGCCAGCCGAATGCTTACTATTTCTTCGTGCAGGAGAAGATC

>EP73030 (+) Hs MGC14156; range -499 to 100.

GGCCTAGGCCCTTCTTCCAGGTTCTCACTTTTTTAAATGAGAGAGAAAAAGCCAAACA
AGGTTACAGAACTAATGGTATAGTAAAGATGTACATGAAACAAATGAGCGCTTCAATA
CATCCATGACAATACATTCGTTACAATACATAACAGTGTGTTTGAAACTTCACTTGGAGG
TAACCACGTAGGTCCAAGCCTAACTCCCTACAACCTCTGAGGCCTGGCCACTGGCTTCCTA
GCATCCTTGGACAGGCCCGGTGAAAACCCAGACACCTTGACTTAAACACTGGTTTAGTT
TGTAAGTCTGGTAAGGCGGCGGGGCACTACCCAGAGGCCTCTGCCCTGGGGCTGTCTCCG
GACTATAGATGACGCCCCGTGGGAAAAGCAGTCGGAGCAGAAGCACCCCTCGGAACCAAGC
GCCCCGCCCGCTACTCTCGGCAGCGTTTCTGGAGGACCAGGGGGCGGGGCTGCCCG
GCTGGCCTGGACGAACGGGAAGCCGGGAGCTCGGCCACGGGTGGCGAGGCTGCGGTGAGG
CCTGGTCTCCGCTGCCAGACCATGCTGAGTGGAGCACGCTGCAGGCTCGCCTCAGCGCT

>EP73031 (+) Hs C140RF2; range -499 to 100.

GAACCCGGGAGGCGGAGGTTGCACTGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTGCAGCGTGGGC
GACAGAGTGAGACTCCGTCTCCAATATATATATTTTATACATGCAGAGCTAAATAATTA
ACAATAGAAAGGGACAAGACACACCACTGAAATGGGAGACTTGACTTAGTCTTTAACGTC
ACAGTAAAGAGGGTCCCTTTTCTAGGTTAACCAACCCTCCCGGTATGTCTAGAATTTT
CTAGTTTCAGCGTTGAAGTCCCGCTCCAGGAAACCCATCAGTCGTGGGAAGATGTGG
AGGATTAGCCAGCCACAGTGACACACGCGGGCACACCCCTAACGCACCTCTCCCCGCC
CCTTCTTGCTGCGACACCAGCGCGCCGCGGGGCGCTGTGGTGGGAGGCGCCGCTGG
GGAGGCACTCTGGCCTTGCGCGCTCTCTGTGCTTCCGCTTCCCGGCATCCCTGCGCG
CGCCTGCGCGCTCGGTGACCTTCCGAGTTGGCTGCAGATTTGTGGTGGTCTGAGCCG
TCTGTCTGCGCAAGGTGAGTACGGGGACCTGGACCTGGCTCCCGAGGTGCGAGACGGC

>EP73032 (+) Hs PLP1; range -499 to 100.

AAGGAATCGGGAGGGGAAAGTGGAGAGGGCAAGGGCAGCTAGGAGTGATGTGGGGAGC
TGGAGCAGATTGGAAGGACTTTGGGAGCTAATATCTAGGTTTTTACTCTGAGCCCTG
TTGGGGCTCTCACTTCATGGCTTCTCACGCTTGTGCTGCATATCCACACCAATTAGACC
CAAGGATCAGTTGGAAGTTCCAGGACATCTTCAATTTATTTCCACCCCTCAATCCACATT
TCCAGATGTCTCTGACGAAAGCGAAATTCAGGCAAGCCTTAGGGAAAAAAGGAAAAAC
AAAGAAAATGAAACAATTGGCAGTGAAAGGCAGAAAGAGAAGATGGAGCCCTTAGAGAAG
GGAGTATCCCTGAGTAGGTGGGGAAGGGGAGGAGAAGGGAGGAGGAGGAGGAGGAA
AGCAGGCCTGTCCCTTTAAGGGGTTGGCTGTCAATCAGAAAGCCCTTTTATTGACAGGA
GAAGAGGACAAAGATACTCAGAGAGAAAAAGTAAAGACCGAAGAAGGAGGCTGGAGAGA
CCAGGATCCTTCCAGCTGAACAAAGTCAGCCACAAAGCAGACTAGCCAGCCGGCTACAAT

>EP73033 (+) Hs TGFBI; range -499 to 100.

GATTAGAGATTGAGGAGCTGGGGAGGGTGGTCAGCTCCTGGGGTGCAGAAACAAGTCTGA
TGGGCCATGGTGTCTGGGAATCAGCACTGCCTCCCCTACCCCTCCCTGCAAGTGTGTTG
TAGCCTCAAGATCAGTGAGGGAATCTTCGGGCCCCCAGCATGCAGGACCGAAGCCCCCGA
GACAGCTGTCCCTCAGTCCCAAGGTCCCCATTTGGAAGCAGCCACAGGAGGCCTAAGGGA
CCTATACCTTGGTTTGGGAAGACTGTGGCGAGGGAGAGAGGGAGGGAGGGCTGGCAGT
GAGGGCAAGGGCTGGGAAAATGAGCACGGGCACAGTGCGGGAGCGGGTGGGTGCCAGG
GCAGCCAGGGGCGCACGGGTTGGGAGGCGCCAGGCGGCCCGCCCTCCTTGACGGGCCGG
CCCAGCTTCCCCGCCCTGGCGTCCGCTCCCTCCCGCTCGCAGCTTACTTAACCTGGCCC
GGGCGGCGGAGGCGCTCTCACTTCCCTGGAGCCGCGCCGCTTGCCCGTGGTCTGCTAGCTC

GCTCGGTGCGCGTCTGCCGCTCCATGGCGCTCTTCGTGCGGCTGCTGGCTCTCGCCCTG
>EP73034 (+) Hs GBAS; range -499 to 100.

TCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATGACAGGCGTGAGCTATTGCGTCCGGCCCCAGAATGCA
CTTGTTAAAGCGTTGTGGGGCTTTTTGAAATGACAATATATTCATATACTACAAAATTTA
AAAGACATTGGCGGGGTGGGGTGGGGTAAACCCACTGCCACTGCCCGCCCCAGGCCCT
GGATTCCCCTAGGCACAGTGTACTCTTTCTTTTGGAGTTTTCCCTGATCATTGAAGTT
ATGCCCTTGCCCTTCTGCACCCGCGCTTCTGGGCACCGAGCTCTCCCGCTGAAGTGAT
CGGCTTGCACTGACTGCGCTTGGGCTTCGCGCTTTCCCGCAGCGGGCGGGCTTGGCGCC
TGGACGCCCCGCGACCCCCGCGCCGCGCGCCCTGCTCCCCCTGGCGGCGCGCCCCGC
ACTGCACTGGCCGCGTTGGGGCCCCGGCCGGGGAGGGGTGCGCGCGCGCGCGCGTACGCG
GCGGCGCCCCGGGCGGTGGGAGCCGAGGCGCCGAGCAAGATGGCGGCGCGAGTGCTGCGCG
CCCCGCGAGCGGCTGGGCCGGCGGCTCTGTCAGCGGGCGGCCCCCTGTCAGCTCTCTGC
>EP73035 (+) Hs PCCA; range -499 to 100.

CGTTAAAAACCTTACCTGGATTTGTGCTTTGCAATTTACGCTTTGCAACATGCAGGAATG
TAGTTTGGGCATTTGTCTGGAATTCGGATTCTCGGGACTCCAGGGTGGCCAAGGCGCGG
AGGTGACTCAATGACATTACCGGCTGGATGCACGTGGGTGCTGAGCCGATGCTGGGA
AGGTACGGGTTTGGCCGGTGCAGGCGCCGGAATCACGCACGGCTGTCTCTCTCAC
TCCTGGGGTTCGCTCTGGCCGGTGGCTTCCAGCTCAGTACGCGCCGGACGCGCAGCCCG
CCGACTAGCCCTCCAGGTCTAGCGCGACTCCCGGATCCCGGATCCGGCGGATCTGGCCG
ACCACTACCCCTCCCCTTTCCGCAAGTTAGGGGGCGGGGCATCGGGTTTCTGGCTCGTGA
TTTGCCGGAGCTCTGCGCTCCCCTTCTCCACCCCTCCGGCTGTGTGAGAGGTGAGCAG
AGGGGCGGTCTGCGGGGACAACAATGGCGGGTCTGGGTGCGGACAGCACCGCTGGTCG
CTGCCGACGGCGTGGGCGGTGGCCGCCGAGCAGCTGATGCTGAGCGCGGCTGCGGA
>EP73036 (+) Hs SH3BGL3; range -499 to 100.

TGCGTGTTGGGTGGTGGAGCGAGGGATCCCTTGGAGCAAGGTTCTTAGAGAACTTTGGGT
CTGAAAGCAGCTCAAACCTTCCAAGCCCCAAGCTTCCCTGTGCTATTAGAGCACCTCCT
CCTGGAGAGAGCGGCTCTCGTGGCTGGGGAGTTGGATGCACCAAACCTGTGTGCGGCTGG
AGAGGGAGGCTTCTGCCAGACCTCTCCCGGGCTGTCTGCCACCCAGGCCCTCCCCA
GTCTCACACTGAGCTCCAGATCAGGGAAGGGCCGAAAAGGACGATCAGGGCAGCCGAGA
AGGGGCGCCCTGCGTGGGACGGGTCCGTTGCGCGCCTGGTAACCGAGGGGGAAGGGAAGG
GGCCTCTGGCGTGCGGGGCGGTGTCGCGCAGGTCCCACCCGCTGCCGCGCGCCCAT
TGGTCCCAGCGCATGACTTGGCGGGCGGAGCAGGAAGGAAACCGCTCCCGAGCACGGC
GGCGGCGTCTCTCCGGCAGTGCAGCTGCCGCTACCGCCGCCCTCTGCCGCGCGGCCG
TCTGTCTACCCCAAGCATGAGCGGCTGCGCGTCTACAGCACGTGCGTACCGGCTCCCG
>EP73037 (+) Hs HBXIP; range -499 to 100.

GTTGAACCTTGCTCCATCTCGTCTTTAGTCTCTGTGTGCGTCTTTCCCCCTACAAGCCT
ACTGACCCCTCCAAGAGTCCCGTGTCTTCCCGTACTTGCCCCACAGGCTAGATCAGA
CCCTGTCTGACCCCTGGGTATTGTAAACTTAAGATCTGTCCCTAGGTCTCGGAGTCG
GTTGAAGTAGGGTCCAAGGTTAAAAAAGTACGACACAAATGCCAGGCCACGAAGTAA
GCACTGAGGCCCGGCTGCAGACCTCTCCCGAGAGGGGAATAATCCGTGCCGCGCGTTCC
GCCATGGAGCCAGGTGCAGGTCACTCGACGGTACCGCGCGGGGAGCCCAAGCCTTCGT
CAGGCTCTGTGCGACGGAAGCGCAGTGATGTTTTCCAGTAAAGAACGCGGACGTTGCACC
GTGATCAATTTTGTCCCTTTGGAGGCGCCGTTACGGTCCACGCCCCGCTGCGTCAAGTG
ACTGAGGCCTGTGGTGGAGAAGGACGTGCCGTGCCGCTGGGTTCTGAGCCGAGTGGTGCG
GTGGGTGGGATGGAGGCGACCTTGGAGCAGCACTTGAAGACACGTGAGTAGTGCGCGCC
>EP73038 (+) Hs DDX17; range -499 to 100.

GCGGCGCCATATAGGAAGGCCAGCCACGGAATTTAAGACCCTCCGGCCTCTGGCGCCAG
AGGACTCTGAAACTTGATAACAATATGGAGGACGGTTATTGTCTCTGCAAAGCAACTTCT
TCAAGCCGGCCGCGGATCTGTACCGAGATCGGAATCAGGCAAAATCCTTATTCTTAA
ACAGAATGCGTTACGCATCTGCGCATCTTAGCAACAGCAGGCCGCTAACGACGCAAG
AATGTTACGTGCGACCAAGAGCGCTTCTCCACCTCATCCACGTTCTAGTTGCGGTGG
CGCGAGAAGTCTACGCTCGCTCCGTAATTTGTTTTCTTGTACAGACCGCAAAATACACC
CATCGTCGAACTGACGTAAAGTGCTTCCAAGAATACCCGTAAGTTCCCGCGGAGCCCTC
GGGCTATTCCGAGGCGCTGTTTACGTATCGTCTCCGCCGTACGCAGCGTTAAGTTGGAGC
CGACTCAGCGGCGGCGCCATTTTGTGCACTGCTGGGAAGGAAGGAGACGCCTAAACCG
CGGCACTGCCGGTTTGGAGGTAGCCAAACCTGCCACCGGCTTTGTAGCCCCGATTCTC
>EP73039 (+) Hs DDX18; range -499 to 100.

GTATACTTTAAATCATTTCTAAATGACTTATAATACCTTATACAACCTAAATGCTATGAA
AGTAGTTATCACTGTATTATTTTAAATTGTTTTTTTTTAATGTTTTCAATGGGGGAG
TTGGTTGAATCCACAGACAGGGAATTCAGGTACAGGGAGGGCAACTCTAGTTCTGCACC
CACAGAGGATAGGAACATAAAAAATGCGGACTCCCTAAGGCTCCTTCCCTCCACGTTCT
TTCTTCAGTCTTCTCTAGGGGGAGCTCAAGTTAGCTTTAGCACAGTGTGAAGCCAGTGC
AGCGTCTCGCTTCCACTTCTCAGGGGGCGCTGCAAAGATTTTGGTCGCCAAAGATATCA
CGGTGCGCGCTCTGGAAGCATTTCCGCTCTGGAGCATTTTCGTTCCGCCGGGTGCCAGC
GTTCTGTGACGCGTTTCTGTTGGCCGAGCTGCGCACGTGCGGCCGGAAGGGAAGTAAC

GTCAGCCTGAGAACTGAGTAGCTGTACTGTGTGGCGCCTTATTCTAGGCACTTGTGGGC
AGAATGTCACACCTGCCGATGAAACTCCTGCGTAAGAAGATCGAGAAGCGGAACCTCAA
>EP73040 (+) Hs DKFZP564G2022; range -499 to 100.

GGCCTTTGAAGTTGTACTACTACCCAGTCTAGGAATCGCGTGTACTCCACCACCGCCGA
ATTCCAGCCTTTGCTTAAATACCACCCAAACCGGAGAACTACTACTAGACGCCACTTGG
GCAGCCAGGCTTAGGGCTTTTCCAGACTTTCTGGCCCCAAAGTCTGACATTGACTTAGAA
GGGATGAAGGGCTGGGGCGAGCGGAAGTAGAGAGCCAAATCCTGCACGGGGTGCCTGCCT
GGTCCTAAAACCTTTAACGGCTGGGAGACAGAAAAGACTCAGGCCAGGCTGGCATGTAGC
GATCTCTCTAACCCAGCTGACCAGGTTCCAACAGGATGACGCCTGCGCAGTAGGTCCAAA
GTCTCACGGCGCACAGACGACTGTCTGAGAGAGGGGCCGTACGCCGCACAGCAAACAAG
CTCCGCGACGTTTCCAGGACCCGGATAATCCCGCCCTTAGAGCAGAGCCGGAAGAAGGCG
GGACGAACCGGAAGAGGGTGAATGCTTTCGGTAGGCACTCCACGGCTGTGAAGATGGCG
GCGGCTGCGTGGCTTACAGGTGTTGCCTGTCATTCTTCTGCTTCTGGGAGCTACCCGTCA
>EP73041 (+) Hs PEF; range -499 to 100.

GAGGAGTAATTCCGCCATCGCCTCTCCCTACCGGGAAGAGTCGGTCGGTTCCCCGTTGTC
AGGGCAACCGCCTGGCCACCGCCCTCGTCTCCTTTCCCGCGGCTCATCTGCGGAACTC
AGGAGCTACTCCAGCAATTACGTCACTATCATGCGTCCCATTTGCCAGGTTATAACATGG
CTACCGCAGCAACACCCACCCAGGCTTCTCACTAAATTTCCCAACCTGACCACCTCTTC
GGCCCACTCCACCTCAGGAAAAGGAGGAACATTAGCGCTGGTACAGCCGCCAAGACTTCC
GGAAGCTCCATCAATCACTTAGCTCCCCTGGTCTCTCGGGTAGGCATCCGCCACCGCCC
CCATCGTCACTTCCGTCGGCCGACAGCACCCCAAGATTGACAGGCGCGGACGTCCAATCAG
ATGCGGGCCAGCCCCAAAGCCGAGACGAGGGGCGGGTTTGAGAGCGGAAAGCCCCACCC
CTTGCTGAGTGTGACGTGAGAATCACCATGGCCAGCTATCCTTACCGGCAGGTGAGTGT
GTGAGGGGCCCGCAATCCAGGTAGCGGCGGTGCCAGGCGCAGGCCCGACGTCCCCCTGC
>EP73042 (+) Hs ADH1B; range -499 to 100.

GAGCAGAATTGCCAGGCACAGTGATCCCTTTGCTGTGACTAATTGGGTGTCTGATTCTC
TGCTGTAAAGACAAAGAGGGTGTCTCTCTATCCTACTTCGTTTTTCTGTTTTCTTACT
CTTCTTCTTCTCTCGCCACCCCATGTGCATTCAAAGTTGCAGCTTAGTGCAGACAAAGGG
AATACAAGGCAGAACGACCTATGTGGGATTGAAAGAAGAGAAACAAGGAATTCAGAGGC
CGGGGGGGGGTGGGAAGTGAGGAAAAGAGAAAGTGATTACAATTTTCACTTTAACTTAA
TATTTAACTAATGAAAACAAAATCTTATCTAGAATTTGGAAGTCAATATTTTGATTGCT
GGTTCAGTACCCTTTTATCTGTTTTGACAGTCTGGGAATAATCCAGTGGGTGTGGCTTAA
AGACATGATCACGTGTGGAATTGGAATTGGATGTTACACAAGCAAACAAAATAAATATC
TGTGCAATATATCTGCTTTATGCACTCAAGCAGAGAAGAAATCCACAAAGACTCACAGTC
TGCTGGTGGGCAGAGAAGACAGAAACGACATGAGCACAGCAGGAAAAGTAAGCAAAAAAT
>EP73043 (+) Hs ADH1C; range -499 to 100.

CTGATGGGGTGTCTGATTTTCTGCTATAAAGAGGAGAGTGCTGTATCAAACACACTCCTC
TGGCTCCTAGCTCTCTCTGTTCCACTTTGTTTATCCAATTTCCCTACTCCTCCTCGTAA
CTGCACCATGTGGATTCAAATTTGCAGCTTAGTGCAGACAAAGGAAAACGGAATTCGTA
ATGACCCCAAAGGGAAGAACTGAATCTGAATGACCCCTGTGGGTTTGAGAGAAGAGAAGC
AGGAACCTTGAGAGAGGAGGAAGAGAGAAAGTAATTAATGTATCGTTTTAACTTAATAT
TTAACCGAATGATAGCAAAATCTTATCTGAAATTGGAAGTCAAGGTTTTGAGTGCTGG
TTCGGTGGCCATTTCTTTATGATTTGATAGTCTGAGAAGAATACGACGGGTGTGGCTTAA
AAACCTAGATCACGTGTGTAGTTGGAATTGGGTGTTATATGAGCAAACAAAATAAATACC
TGTGCAACATACCTGCTTTATGCACTCAAGCAGAGAAGAAATCCACAAGTACTCACCAGC
CTCCTGGTCTGCAGAGAAGACAGAATCAATATGAGCACAGCAGGAAAAGTAAGCAAAAAA
>EP73044 (+) Hs FLJ12783; range -499 to 100.

GGTGCAAAGTGCCTGTGAGTGCCCAAGAAATCTCTTTTATTAACAAGACACGAATTCATT
CCAATTGATTTGACGGGCCACTGTTGTACAGCAGCCGCACTGCCCAAAGGCAGCAGTG
ATGTTTGAGCGCCGACTCCCGCACTTGGTCCTCACAACCACCCCATGGAGTTCAT
GCTAAGATCCTCGCATTTCTTTGTGTGGCAGGGACTTGCTGAGGTCCGGGGAGGGGAG
AGAGGAGGGGTGCGGCCGCCCGCGCTTTGCACTTTCGCGTCTCCAGCAGAGGGGTGCG
GCCGGCGGGCTCAGCGTCCCGCATAATAGCCGCTTTGAAGCCCGCGGAGCGGGTGGCGGG
AGGGGAGGGGAGAGGCGGGAGGGGAGGGGAGAGGCGGGAGGGGAGGGGCGAGGCGGGAGG
GAGGGAGGGGAGGGGCGGCGAGCGGAGGGGAGGGGTGTGTGCGCCGCCCGCGCTTCTCC
GCCCTCGTCCCGCGGCCACACGAGCTAGCCGGAGCCCGGACCAGGCGCTGTGCCTC
CTCCTCGTCCCTCGCCGCGTCCGGAAGCCTGGAGCCGGCGGGAGCCCCGCGCTCGCCAT
>EP73045 (+) Hs CYP11A1; range -499 to 100.

AATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAGCCTAAGGATGCATTTCTCAGAACTT
ATCCCTGTTGTTCAATGATGTGTGTCTATACAGTGGGGCCATAACTAAGACGTATGTTGC
CCAAGCTGGCAAGATAGCTCTGACCTTCTTGGGCCCTCATTTCCTCCAAACACAGGT
TGTCTGCAGTCTTGACCAATGGCTGCCAGGCGATGGAATCCGCTGCAGGGGCCAGTGGGA
GGCCCCAGCTCAGGCAAAAGCACAGGCAGATTTTCAAGAGTCTGCTAGGGCTGGCACTG
AGGGCAGAGACAGAGGGGTCTCCCTGTCTTTGGAGAACCTCACGCTGCAGAAATCCAG
ACTGAACCTTCATACCGAGTAGGGGAGGAGCTGTCTGCGGGTTTGAGCCTGCAGCAGGAG

GAAGGACGTGAACATTTTATCAGCTTCTGGTATGGCCTTGAGCTGGTAGTTATAATCTTG
GCCCTGGTGGCCAGGGCTACAGTCATCCTAGCAGTCCCCGCTGAAGTGAGCAGGTACA
GTCACAGCTGTGGGACAGCATGCTGGCCAAGGGTCTTCCCCACGCTCAGTCTGGTCA
>EP73046 (+) Hs RPS10; range -499 to 100.
CGGCCTCCCAAAGTGCTGAGATTATAGGCGTGAGCCACTGTGCCGGCCTCTGTTTTTTA
TAAAAAAGTCTACTTGTGTGAGTGCATATGAATTTGAAAAGTGATACCAC
AATGTTAATAGCTATTTTCTTTGGTTGATGGGATTATGTTTTAGTCTTTTATCGTCATC
TGATTTATATGTTCTCTCTCTTTTCTTGCTCCAAGAGCATATCACTTGATAATAGAT
TTTGGCCGGGAAAAAAGAAGAAGCGTTTCTAAAACGACAGCCAAAATAAGTGACCCTG
TACTGATAGAGCACGAAGCTCAGAAGTTCGGCGCGCGTTCCTAGTGCGTGCGTGAG
TCCCTCAGGCGGTGAGGCTCCGTGGTCAAGTCCGCCAGTTCTTCAGGCACCGCGAGGCC
ACCCAGGCTCCCCGCGGGTCTGGCGGGGGCGGGTCCACGCCAGCCCGGAAGAGACGC
AGCACCGCATGCTCCTTCTTCCAGCCCCGTACCGGACCCTGCAGCCGAGAGGTG
AGTTTCTGTGGCGTTGAGTTCATCGGCTCCCATCCGGGCTATCCTGCCGCTTAGCGG
>EP73047 (+) Hs RPS5; range -499 to 100.
AGGCACATGCGCAGGCAACCTGGACCTGCGGAGGGCGGGTGACCACTGGGCCTCACT
CCGCTAACCCAGGTCCGCTCAGGCGCGTGCCGGTGAGGCGGCTGTGGCCGCGGCGAGGA
GTCAGAGGGAAGTGAAGTGGCTACTCCGCGGCAGGTGGGATTTAAGGTACAGAGCTGAA
CAAAGAAGCGAGCGCTGGCCAGACTTTTTCTTTATTAGACATGGCTGCGTTGGTCTCAC
GGAAATCTCTGCGCTTTTGAGGCGCCCAAGACAGGGCAACTACGGGGTAGCGGACAT
CCGCCAGGCACGCTTCTAGGGCGCTTCTGCAACTGCGCATGCGTTGGGCTGCACCCAT
TCCGTCTAGCCAAAAGGTTCTCTACAACCTTCTCCGATTGGTCTATAGGGACACGA
TGGCCTTTTACGCAAGCGTACCCGTGCTGACCCGGAAGTTTCTTCCAGTTAAAAGTG
TTGGCCCGCGGCGCGCGGCTTCTCTGTCTGTACCAGGCGGCGCGTGGTCTACGCCGA
GTGACAGAGACGCTCAGGCTGTGTTCTCAGGTGAGACCGCGCGGGGCCGGGATCCTAG
>EP73048 (+) Hs B4GALT3; range -499 to 100.
TTAACTAATCGCTTTTTATTTCCAGGCCTGCGGGATACAACGGGAATACAAAATGCGCT
AGAGCGGTCCGCAACGCTGTAGCCTGCGTAAGGAACAATTGATACTAAGTGCGACTAGGC
TGCAGGGGTGCCACTGACACACTGGGAGAGGGCTCAGCCAACCACAAGGTGATAACGAG
GTCAGCGGAGCACCAGAAACCGGCTCACTAGCCTCCTGATCAGTCTCGGCCAGAGGAAA
ATGAAGGGCTTGAGCTTCTGCTTTTACAAATCTGAGGGGAGGAAATGAAATCCACTAG
CAGTCTGCGTAGTGAGTTGAACCTTAGCACCCGCTCCCCAGGGGGTGCCTACAACGCG
TTCCAGGTGGGCAAGGCTCAGGCGCTTCCCTCACAAGCCCCCGGCCACGCGGTGTCTGG
GACCGGGTGCCCTAGTCAGCCCGGGTGGCTCCGCCCGAGGCCCCCGCCATGACGCGAGA
CCCCGCCCCCGCAGCGCCGCTTCCAAGATGGCGGCAGCGATGCTGCCCGGCTGTTGGG
GTGGCGGTGACGACAGGCAGCAAAAGACCAGGTATGTGCGCTGGGAATGCGTCGACACGG
>EP73049 (+) Hs B4GALT4; range -499 to 100.
AATAATATCTTTGAAGAAATACGGATTTAAAAAATCATTTAATATTCTCAGACCTGCAA
CATGGGAAAAATATTATTATTATTATCATTTTTGAGTTGAGAGGGCTGAAATCTCG
CAGGGTGATTAAGTTTATTAGCCTCTCTAAAGTCTCAGTTTCCCACTGTGAAAATGGAA
GGGTCCCTATCTCTTCTACTGCTTTGTGAGTATTTAAGGGATGGAATTTGGGAAGCG
CTCAGCACCCAGTCTACTATTGGCACAGGGTTTTAAAGCCACCCAGAGGCCGAGGCGTCA
ACCTCCGTTTTCCCTCCCGGTGCTCCTTCCAGCGCCCGGTGTGGTTCGATTTGGCGGGGGT
GGAGCGCCAGGCGCGTGACAGCCGGGCGGACAGCCTCTCCGGCCAAGGCGGGAGGCGG
AGCTCGTACTCAAGAGCCGCTCCCGGGCGGTGGGGCGGTCCCGAGCTGCTTCCGCG
TTCTCCCTCTCCGCGGGCAGTGCTAGCTCGCCGCGGCCGCTCCGGGGTGAGTACGCTG
GCTCCGCGGCGCCCGGAAATGCAGTTCCCTGGACACGGGCGCGTGGCAGGGTAGCCG
>EP73050 (+) Hs CDC10; range -499 to 100.
ATTCGGGCAAGACCCACCTCGCACCCACCCACTAGTCTTTTTCAGCGTTCCAGGAT
TTTCTCAACAATGTAACGCGGTTAACCTTAGAAGCAGTGTTGAAGAAACACGCAAGA
GGCCTGAGTATCCATGACCTCAGTGGTGCAGAAACCGGCCAACTTAAACATGGCGGCTAA
ACCCGAACAGCAAAACGTTGCTGACGCAATGAAGTCATGCTCGAAATGGAGCGAGGCGG
CGGAGCTGGGGAGGCGGTAATCTCGGAGATGGAAGCCAGCCTCCGCTAGGCCCGGAAGC
CTCGTCTGAGGGGGCGGGGACGGAGGAGGAGCGGGAGTCGAGCGAGAGCCTGTGGAGG
AGTCCGCTGCTGTAGCGTGCGTAAGCAAGGCAGCTACGCCGGGCGGCTACGCTGCGGAA
TCGGCGTAGGCGCTTTGGAGAATCGGCGGGCTGCGCTCCGCTGGGGTGGTGCAGGAGG
GGGGGAGGGGATGTCGGTCACTGCGAGATCCGCTGCTGCTGAGGAGAGGAGCGTCAACAG
CAGCACCATGGGTGAGTCTCAGCTTCCGGTGCCGCGACTTGGGGTCAGCGGCTCCGAATG
>EP73051 (+) Hs PDLIM1; range -499 to 100.
CAGAGGGCTGACTTGGCACAGCACTTCAAATTTCTGTTTTACAAAGCACGAGGCGCGAG
TTTGTCTCGCTGTGAGACCTGCTTCCCTCTACCTAGCACCCGCCCGGGCCGAGAGC
CGCGGTGCGGCCGTGCGTACAGGAGGGAGGGAGGCGGTGTGGGGTCCCGGGCAGAGCTGC
TGAGAGCCCCGGCCCCGATCTGACTCGCGCTCTCTCGGCGGACTCCGGGCCAGGGCCC
CCAGGCCGGCGCAGGGCGGGGAGCGGCTGCGGGCGGGAGGACGGGCGGGCGGGCGG
GGCTACGCGGCTGGGCGGAGCCGCCCCCGCTGGCCCTGCGGTTGCCCTGCCCCGCG

CAGCCCCAGGCTCCCCGGGCCCGCGCCGCGCGCTCTTTCTCCGACAGCCGCCGGGGGTG
CCCTGCAAGCTGTTCCGCGCTCTGCCCCGCTGTCCCCGCGGGTCGTGCCCCGCCACAG
CCGCGCCATGACCACCCAGCAGATAGACCTCCAGGGCCCCGGGGCCGTGGGGCTTCCGCCT
CGTGGGCGGCAAGGACTTCGAGCAGCTCTCGCCATTTCCCGGTAAGAGCAGCTGGGAC
>EP73052 (+) Hs LTBR; range -499 to 100.

GATTTGCTAGTCCCTTGTAATTTGTCTGAAAACTCCCACAGTAGGGCAGGACAACGGGG
GAGGAACCCGGGCATCTGCCAGCCGGTTCTCTCGGTCTCAGAGCTGCTTCTGCGGCCTT
GCAGTCCCCGCGCCCTGCCCTCTCCATGACTGCCCGTCTGGGCCCCCTCGCTTTCAGAT
CCCGCACCCAGCTGTCCCTTGCCTCTCTGGAACCTCCCTCTGCTCTCCCTGCGAGGCTTG
TCCAAGGGGTGACCCCGGGGCCCGCGCCCTTCCCTCGGCTGGGCGCAGGGCTGTCCGAGT
CCGCTCTCCCGATCGGGCTTCCGAAGAAGGGAGGAGGCGGTTCCGGCCCCGCGGCCCTC
ACGTGCTTTCCCGGCCGCCCTCCCGCCCCGCATCGAGGCAGACAAGCCTGTTCTCTTCTC
CCTGGGCTGCGATTGCGACAGGCCGGCTGGCTCCCAGCGCTCCCTGTCCCCGCCCGCG
GCCAGCTCGTCCACTCCACTTCTGAGTCCGCCATGGGAGCCCTGGAGGCCCGGCT
GGCCGCTCCCGGCCCTGGGGTGACATCGGCCCTGAGTCCCGTCCCAGGCTCTGGGCTCG
>EP73053 (+) Hs CRYAB; range -499 to 100.

TGGCTGGTGCTGACATGTTGACCATCACTGCTCTCTTCCAAGGACTCACAAAGAGTTAAT
GTCCTTGGGGCTCAGCCTAGGAAGATTCCAGTCCCTGCCAGGCCAAGATAGTTGCTGG
CCTGATTTCCCTGGCATTGAGGACTGGAAAGGAGGAGGAGGGGCACACTACGCCGGCTCC
CATCTCCCCCACCCGCGTGCCTGCTTGGGATTCTGACTCTGTACCAGCTTCAGAGA
ACAGGGGTGGGGGTGGGTGCCATTGGGTGTGGACAGAAAGCTAGTGAACAAGACCATGA
CAAGTCACTGGCCGGCTCAGACGTGTTTGTGTCTCTTTTCTTAGCTCAGTGAGTACTG
GGTATGTGTACATTGCCAAATCCCGGATCACAAGTCTCCATGAAGTCTGGTGAGCTAG
GATAATAAAACCCCTGACATCACCATTCCAGAAGCTTACAAGACTGCATATATAAGGGG
CTGGCTGTAGCTGCAGCTGAAGGAGCTGACCAGCCAGCTGACCCCTCACACTCACCTAGC
CACCATGGACATCGCCATCCACCACCCCTGGATCCGCCGCCCTTCTTCTTTTCCACTC
>EP73054 (+) Hs HNRPH2; range -499 to 100.

CTGGCTCTTCTTGGCAGTCAAGGTTGCACATGAAGCGCTCCAGTGCAGCCAGCCCATGG
TAGGCGTCTTGGCAATCCATTGTCCAGTGCTCTAGCCCCAGGGATGTCCAGGAAACGA
GGGCCAGGAAGCGAAGCGCAAGCGCGCAGCCAGATGTAGTTCTGGGTTCTCAGCTGCA
TTGTACGGTGACCGGACAGCATAAATTTCCGCGGGTAACCTGGGCTTTTAAGATTAACC
TCAGGGGCGGACCAATCACCAGTGAATTTAAATAATGACGTTATTGTTTCTCTGGCAA
CTGGGACGGTTATCCCCAGAGGTAGACCAATAATCAGTCACGTAAGACGTTCCGCTAACC
AATCACCTCTTCTTTCTTGTATTTGACCCGCCCTATTTCCATACCAGAAGGAAGTGCG
GCACCTTAGTGATCCCGAGTTTAAGCCGAGAGTTGCTCACGTGACCGAGATCTCACATGA
CGTAGGCGCTCACGTGATTACTCGCTTACGTGAGCAGAAGTAGTTCTGGTCGTCTAC
CGTCTCGCTATAGCCGTTTGGGGAAGAAGGAGGAAAATTACCCGGTATCGTTAGAGGTT
>EP73055 (+) Hs HNRPR; range -499 to 100.

CGAGGGAGGACTCGGGGGCTAAGGGCGGCCGTGGCGGGACGAAGCGCCATGGCGGAGC
TGGGCCAGTGCTGACCATAGGGGGCGGGGCTCCGGAGGCGGCCACGCGCGCGAGGCCA
GATTTTCGGCTCGCATCGCGGCGCAGACGAAGAGGGAGGAGCTTCGTCCACCCAGGACCC
AGCGCCCCCAAGCCTTGACGCCACCAAGGGCTTCCACCACAGACCCCTTTGTGTGCCTGC
CCCCGCCCGGAGGCGCCCCAGCCAGGGGCGCTGAGCACCTCATTGGTTAGCCGGCAG
CTTCATCGATTGGCTCTCGAGTCGTCCGGCGTGGTCCGTTTTGCCTGGATACTACTGGTC
GTCTGAGCTGCCTGTGAGGCCGCTCGCCAAGCGATTGCCCCGTAGCTCGGAGTCCCTGG
AAGCAGTTCCGGGAAACCCCGCTGCTGCCGGGATCGCGTCTCAGTCCATCAGGGGGGGG
AGGGGGTGGCGCGCGGCCATTTCTAGTCGTTTTCAAAGCGCTCGCGCTGATTCTCACG
GGCCCGGCTGCCGGCCCCGCTCTGCCCTGGTGAGTCTCGCGCCGGCCGTGGGGGGAGG
>EP73056 (+) Hs RPL27A; range -499 to 100.

GTGGGCACACTGAGGATTAAGAGAGGCCCTCGCGGTTCCGCACTCGGCGCGGGAGACAAAC
CAGTAGCCACTATCACCAGCCCCGGGCAGACCACTAAGAACTGTGGAGGTGCGCGGGGCG
GCTCAGGGCTGGCGCATTTGGTGAGGAGCTCAGACAACGAGGCCCTTAGGGTCGGCTTAG
GCGGTTCCCTGACCAAGGCGCCAGAAAAGGGCCTGGCTCAAGCAAGCACGGGCGGCGTGC
AGTACAGCACACCTAGCCCCGATTCTTCAACAGTTCTCGCCCTCCGAGCTAGCACAAACG
AGCCTCACCGAAACCGTACACCGCCACCAGGACACTCCGTGATGGGGGATCACCAACCTC
AGAAAGAGGAAGCGACTAGCAGGCGCGCAATCCGCGAGACCAGGAGGCCCGCCCGAAG
CCCGGCTCTGTGACCGGAAGTGAGGCGTTTTGCCCGCCCCCGTGGCCGATACCTCGCG
AGACTTGGCGAAGGCCTTCTTTTTCTGTCTGGGCTGCCAACATGGTAGGTGTTTCGTTTC
TTGCTCTCTTCTTGGCGGCGGAGACCCCTAAGCTGTATTCCCATTTGCCCTAGTCAT
>EP73057 (+) Hs TPM1; range -499 to 100.

GGCTGGGAAGCCCCGGGCCCTTGGCTAAGCGCGCGGGGGACGGCACAGGGGGGCGACG
CGCATCCACCACCTGGTCCGCGCTCTCCCGGCTCCGGCAGCTCAGGGCGGGCTCGGTTG
GGGACCCTAATGGCTGGGTGCCGGCCTGGGAGAAGGGCACGCGGAGGGCGGAGGGTTGC
GCCTCGGCCCGGCTCGGCCCAACGCCCTCTCCCTGGCGCGCAGGTTTAGAAACAGGGC
GGCCTCTCCGGCCCGCCCTCGGCGGCTCGGGTCCCCATATATAGTCATATCCACCGTCA

ACTGGGAGGCCGCGGCCGCGCAGCGAATGGGCGAGCGGCCCGCGGGAGGAGCGGGGAG
GGGGCACGGGGCGGAGGGAGAGAGGAGGAAGGGGGGCGAGGAGAAAAAGCTTTTCCAAA
AAAGTATTGGCTGTCTTGAGGAATGCGGTGCGCCCTTGGGAAAGTACATATCTGGGAGA
AGCAGGCGGCTCCGCGCTCGCACTCCGCTCCTCCGCCGACCGCGCGCTCGCCCGCCG
CTCCTGCTGCAGCCCCAGGGCCCTCGCCGCCGCCACCATGGACGCCATCAAGAAGAAGA
>EP73058 (+) Hs GPX1; range -499 to 100.

CTCTGCCCGTTAGAAAACCCGCACGAGGGCGGTGCCGCTTTGGAGACAGGGAGGAGGGA
GACCGGAAGCCTAGATCCCTCTGGCTGTCCCTGCACTGCCGTAACATGGCACAGGAGA
GGAGGGCTGTTTGTGCACGGGCACTCCTGCAGCTGCTGCCGTGCCCCACAGCCTCCTA
TGCCAAACCCACATCCTAAGTCTAGGAACCTCTGAGAAAAACGGAGCCCTCGAGGGCCC
CAGCCCTTGGAAGGGTAACCTGGACCGCTGCCGCTGGTTGCCTGGGCCAGACCAGACAT
GCCTGCTGCTCCTTCCGGCTTAGGAGGAGCACGCGTCCCGCTCGGGCGCACTCTCCAGCC
TTTTCTGGCTGAGGAGGGGCGGAGCCCTCCGGGTAGGGCGGGGGCCGGATGAGGCGGGA
CCCTCAGGCCCGGAAAAGTGCCTGTGCCACGTGACCGCCGCGCGGCCAGTTAAAAGGAGG
CGCCTGCTGGCCTCCCTTACAGTGCTTGTTCGGGGCGCTCCGCTGGCTTCTTGACAAAT
TGCGCCATGTGTGCTGCTCGGCTAGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCCAGTCGGTGTATGCC
>EP73059 (+) Hs GALE; range -499 to 100.

CAGCTCCTTGTTTATTTGCAAACTGGACTTCCAGCACAGGCCCCCTGCGACCCCTCC
TGCTTAGTCCCGTGGGATCGGGTAGTTCAAGATTTGAATTCATGGTTTGGCACACACC
GGCAAGTCTGAAAACCTGCGGGTCAGAGTGGGGCGGAGGCGTGGGCCCTTACCCTCTGC
CCCCTGCCCCCTCGGAAGCGCAGCCCTTCCAGGGGTGGGACGAGCTAGCGCGGGGAC
CCGGGGCACCGGCAAGGACCCACCCGCTACTGGGACCTGGCGCCGGCGGCGCCTCTCGCG
GGGTGGCACCGCCACTTCCGCTTCCGCGGGCGCGCGTGCAGCTTCTGTCACAGCG
CGGAGGCCTTTTGTCTCCCGCCCTCCCGTAGTGGCCGTAACCCGAGTGACATGTTTCC
TTGGGGGCGTGGAGGGGCGGGGTGCGGGCCGGAGTGGGCCGTGAGCACTTAAAGGGCCCG
CGGCTCGGGCGTAGGAGGCGGTGCTCTGCAGCAAGCGTGGGGCGCGGAACCCGAGCAG
GTTCCGGGAGACGGAATGAAGGGCCGGGTGGGCTCGCGAGGGGCCGGGGAGTCCGCGGGGA
>EP73060 (+) Hs PLOD; range -499 to 100.

CCCCTTGGGTTTTGGGAAGGACTAATGAAATCATGAAAAGTGAATTCCTTGGGGCTTGAC
CTGGGGCTGCTCTAAGTGCCTACAGGTAAACGCCATTAACCCGTGCAAGACCCAATGAAC
AGACGCTATCATAAGCCCCACTTTTCAGGCGAGCAAAACAGGGGCTCGTGGCTATCGATGC
CATGGAGCCTTGCCCCAGAACCTGGGGTCTAGAAATCGTGGCCTCTCTCTCTCTCACCG
CCCTCTTTCTGGTGGAGTGAACCCCGAGAGAGGGAGGAGACGGCAGGGCCTGACGG
AAGCCCCGGGAGCTGCACAGAGGCGGAGGAGCTGCCCTAATAAGGAGAGGCCCGGAC
TTGGGCATATCTGCAGAAAAACCTTCCCCACTAGGCAGGCGCGGGGGAGGGCGTGGAGG
GGCGGGGTGGTGCCGCCCGGGGGCGGGCCAGTGCGTGGCAGCGGGACCTGCGGCCCG
TCGCGAAGTTTCCAGCCCTGCGAGCGCCGCGGGTGGCCGATCGTCCCCATACCTCGG
CCATGCGGCCCTGCTGCTACTGGCCCTGTGGGCTGGCTGCTGCTGGCCGAAGCGAAGG
>EP73061 (+) Hs ITM2B; range -499 to 100.

CCTTGGGTGAGGTCCGTGAAAGATAAAGTCAGATCTCAAGGACAGAGAGCTTTAAACATG
TTTGTGCTCCACTGAGTGGTTACCTAATAAGTGAGAAAATGAAGATGTGGATGCACAAA
AATTCCATGGCCTTTAGGCTCGCGGTGGGGACAGGGTACAGGGAAGCGCGGTCTGGTGC
TGCCAAAGGTTAGTCCCTGTACCCGGCGAACTCAGGAAAGTTCACTCGATTCGCTACA
AACCTGCAGCACTCGGCCTGGAGGTAACCTGGTTGGGAGCGAATTCAGAACTGGAATTC
CAGGCGGGCCAGAGGGACACCCATCCCTCTCCGAGGCGCGCCGGGATCCGGCGCCAGCT
GCGGGGCGAGGGCAGGGTCCCGCGCAGCACCCACCCCGGCGCTGGCCCCGCCCGCG
CCCCGCCCGCCTCCAGGGGATGTGCGAGCAGTCTCCGCCCTCGCGCGGGAGCTGGGAG
GCTGCGAGATCCCTACCGCAGTAGCCGCTCTGCCGCCGCGGAGCTTCCGAACCTTTC
AGCCGCCCGGAGCCGCTCCCGGAGCCCGGCCGTAGAGGCTGCAATCGCAGCCGGGAGCCC
>EP73062 (+) Hs ACTR1A; range -499 to 100.

ATATGTCCTCTCGCGTACGTGTGTTAACATTTCTTTTTGTTAGAGTGTGAGGTGCTAGG
AGATGTTTATTAAGTCTTACAGACCCAAATAAAAACATGAGAACCTTATATTGTCTAAG
GGAACGTGGGGGGAGTGGCAGGGCTGATCTGCAAAATCCAAACATCCATGAATTACGAC
CAATCCAAACCGAACTACAGACAAGTACTCGAGAAGACTACATACCTCAGCATGCACTGC
GAACTCCTTCAAAGGGAACAGATCCAGGCATGCAACATGACCATCAACCTGTGTCTCT
GGCTGTTTAATCTAGGGAGACCACAAATCCAGGGTACTGCGCATTGGAAATGCGACTCC
CAATCTTAAACTAGGCGGGCAACAAAGCAAGCTAGATCGCTAACCCAGGCGCAAAGCTTG
CTGGGGATTGTAGTTCTTCAGAGGCGAGGTGCGGCCGCTCCCTCGCCGCCCTGAACCGC
GGCTAGACTGCGCATGCGTGTGAGTGGCGCTAGCGGCGGACCCGGCTGGGCGATTCTTC
CCCAGAAGGAGAGATTCTCTGCCATGGAGTCTACGATGTGATCGCCAACAGCCTGTC
>EP73063 (+) Hs ABP1; range -499 to 100.

GGGTCTCAAAGATCGTTAAAAAGCCGCCAAAGTTGCAACTCGTCTTGAGTGGCTGCTCC
TCCCAAACGGTTCTGCCTCTGGTGTCTTGTCTAGGAGCGGTTGAATTCCTGTTTTGCT
GTGGGTGCCAGCCTCTATCAGCCCTGCCCTGGTCCATCTGTGAGCTTCAAGTAAGACTA
CCGGCTAGGAAATGGCCCCCTGTCTTATCTCTGCCTCTAAAATATGCCACCTAAATTAA

CAGATCGTGGCATTGCATGGCTCGTCACAGAGAAGCCAAGGCAAATTCTTGTGGAAGGCG
GCACTTGTCTGGAAACAGACTCAGGACAAGTGTGCTGCACAGCCAGCTTCCTCAAACCCA
CTCTCGCCACTGTAGCTGCCCACAGAGGCACCTCCCAAGCCATAGGCCCTCCTAGGCCA
GCTCAGGCCTCACCTTGTCCCTCCCTGCAGGGCGGGTCTGATTGACTTCAAGAAGGAGT
CAGAGATCAGCTTAAGGGCAAAGGCTGGAAGCAGAGCGAACTGGGAGCAGAGCACACAGG
TGCGTTCTGATGGGTATTCGGGAGAGTCAAGAAGGGGCTGACCTGGAGGACAGAAAAGCA
>EP73064 (+) Hs OCIA; range -499 to 100.

GTAGCCTCAGAGAGATCACGGTACCCTGCCAGAGGTTGTAGAACTTGTGGAAACTTGGA
TCAAGAGGGTGTGACAAATAACCAGGTATGCATGCTTAAAAATTACTTTCTACTACTTAG
CCTACAGGCTCAAAGAATGAAATTATCTCATAAAAGAGATAATTTATAAAGTCGCTCTCA
AAAGAGGGGACAACAGAGGGTTCGGAACGTTCCCGCCAGCCGCCACGAGAAGACCAGAGA
GGTGCATCACAACAGCCCAAAGTCAAGCCTACTCCCAACCCCTTCCCGCCATCCAGGG
AAGGGGCGGGGCGAGGGTCTTGGTCCGCCGCTGTGCGCTGCGCAGTCGAGTGCAGGCTCG
TGGCCGCGAGTCGCTGAAAGGGCAAAGGGACGAGTATACGCATGCGTCTATTCTAGGCT
GCTGGCTCTCAGACCCGCGAGTGAGGTCTGACGTCAATTCCTGCCGTAAGTATACAGTGCC
TCCGGGTGCGGGTCATTTTGAGCCCCGTGTCTGGATGACTTCTTGGGCTGTTCTACCCCT
CCCCCTCCCCGCGGTACCTTGCACTTTTCTCCCTCCCTGCCCCCTCTCGAGTCCACCCTC
>EP73065 (+) Hs MATR3; range -499 to 100.

AGTTTATTTATGATAAATAAAATAACATACCTAAATAAAAAACCAGCCAAAATGGTATCGT
TTTCCCTTTGTGGCCCAATATCTGGCGCTTTCACCATTCTTGGCAAACAGAACAAACC
AGAGAGCATAAAAGTCGAGTCTAAGCCAGGACTCTCGGAATCCCTTCTAAGGCATACC
CTATTTAAACTTTGTATTATGCTATTACAGAGGTTGACAAACAGCCTTTTCGGGAATGGG
ACTCGAACTCGTAAGCCACGTCTGTTCCCTCCATTTCCCGCCTCAGCTGGATGACGGAGAG
GGATCTCCGGGATTAAGAACAACGACCCGAGGCGAGTGCACGAGCGAGGTGCGCGCGCT
GAGTAGGGGGAGGGGCTGGCGCGCGCCGAACCAGATCGAGGGGGTGGGGGCGAGCTCTC
TCGCGAGAGTGGGTTTGTCTTGGGCTGCAGCCGCTGCCCGCGCTTCTGCCAGCGCCGT
TGCTGCGGGGATTGTGGGAGTCTCCGCGTCCCGCTCGCTGGGAGAGAGGTACCTCTCCT
TTTCCCTCTCCCTTTCCCTAAGGTAGGCGTGAAGCGGGTAAGAGTCGGGGTGGGTGGCT
>EP73066 (+) Hs MMS19L; range -499 to 100.

GCACCGCCGCGAGCTACTCCCGGCTCGCTCGGGGACACAGGCAGGGGCCGGCCCCCTGGAG
CCTGTCACTACCTGCCTAACCCCGCCCCAGGCCGGCCCTCTCCCTTCCGCCGGCTCGC
GGTGCCCGCGCCGCCGCCACACCCGCCAGGTGCGCATGTGACCGACAGCACCGCCCC
CTAGGGCTGGGCTGCTTTCTATTGGCTTCCCCGTTGGTGCCTACCGCCCCCTCTCCCC
ACCCAGCCAGGTGCCCCGCCGACCCGCTCTCCCGGGAGCCGGGCTGGGAATTATTCTG
CCCTCAATCGCTCCGGCTGCGTGCCAGCAGCCGCTTCCCTCTCGGTGCCACCGCCCC
ATTTACAGCCCCGCCCTCCCTGGAAGTGCCTAGGCAGAAAGCCGCGAGGCACGTGACCCC
GGCGCCCCGCCCTTGGCTTCCCGGAGATTGGCTCGGGAGGCGCATGCGCGGAGAGC
CCGTCTCGAGCCACCGCCATATCCCTCCACGGTCTCTAGTTGCGGTTATGGCCGCTG
CCGCGGCTGTGGAGGCGGCGGCGCTATGGGTGCCCTATGGGGCTCGTGACGACTTCG
>EP73067 (+) Hs FLJ13154; range -499 to 100.

GAGGGGGCTCCGGGTGACCGCCCTCGGCCGGCTCTGCGCAGGAGAGGAGGGGCTCCTA
GAGGCTCTGGTCTGCCACAATTGATCCGCCCTAACTGCTCAGCTTGGCTTTAGGGGCT
TGGACTTTGGGCTGGTTTGAGGAGGGGGCTCCAGGACCTCTGATCCTGGCCGGGCTCGGG
GCAGGCAGGGGTCTCCGCTGGGTCTAGTGCGCTGACCCGGGACTGTGCTGTCTGGTATGT
CTGGTCCCGGGTGGCTGCAGACAGCAGCGGCAGAAAGGTGAGGGCCCTGAGCGATATAT
GAAATGGGTACACGAAGGCTGGGGAGGTCCAGCGGGGTGCCGGGAGGCTGCAGGTGACC
AGATCCGCGTGCGCAGCCGGCAGACAGCTTGGAGTCGGTGGGCTGAATCTTCACTACTGT
CCTGCCGGGTTCGCCCTCCCGGCTCCGCCCGAGGCGGTGCCAGCCAGGCCCCGCC
CTGGGAGGGCGCTTCCGGCACAGCGAACTCCGGGTGCCGGTTGAGGTTGCTGGTGGACC
TGCTCTGGTGGTCTTGGATGAGGCCCCATGAGCGCGGCGCCCTGGTGGGCTACAGCAGC
>EP73068 (+) Hs FLJ13111; range -499 to 100.

CCGCTCGGTGTCTAAAGTATTGGAATTACAGGCGTGAACCACCGCCTAGCCTGCAAAT
GCAAATCTAACAGGTCTATGTAGGATAAAAAATCTTTTCTGGCCCAAGTGTCTCTCC
TCATCTTCGGAGAGGGAGATGGGAATGAGAGAGCCTTCTAATAATAGCAATTGCTAGTTA
CCAGTGCCCTGGCTTATCGTGTGTAGACTCTGAGTTAAACATCAACTCCTTGAATCATT
ACAAGCTCCTTATCAGGTGGGTATCAACCTCAATTTACAGATGAAGAAGCCAAGACTTGG
GCTGCTTGCAATTACATTAACCGAGGTTTACCCGCGAGCGAGGCTGCCTCAAAGCATCCGG
AGTTTGCAACCATCACTGTCCACCCCGCGAGCTGCGATAGTGCGAGAATACAATTCCTCG
TGGGGCTGTGCGGGAGCATCCGAGAGTTACATTAAGTGTGGCGGCGGGAAGGCGGAGCC
TGACGCTGGCTGGGCGGTTAGGAGGGCCCGGGGCGGAGACGATGGCTGACCACAACCTG
ACAGCGACTCCACGCCGCGCACGCTGCTGCGACGCGTGTGGATACAGCGGACCCGCGCA
>EP73069 (+) Hs CDK5RAP3; range -499 to 100.

ATGTCTATTAGAGAACTGAATGAGGAGGCAAAGCATGACAAGTGCCACAAGAGACCTGC
ACACTGCTCTGGATGGTAAAGCGACGCAAGGAGGGAAGAAGGTATTTGCAACGGCTCCC
AGATCGGCGCTAGGACCCCGCCAGCAGACGTCTCAATCTGCGTGGAGAAGACCCAGTGCC

CGCCAGGGGAAGCGGCTGCCAGGCTGGGCTCTCGAGCGCCGCTGTGCAATCCCACGGC
CGCTGCAGCGCACCCCCTCCCGTCCCTGCCCTGAGCCCGCCTCGCGTCTCCAATTGGCT
GTCTCCATTCTCCCGCCCCTCCCGAGCTCAGCCATTGCGAGCCTGGGGTGGGCGGGGCTT
GAGGCCTGAGTGGAGCGTAAACCCTGATTGGCTGTACGGAAGGCGGCGACGTGGCCGAAG
GATGCCCCGTTTGTGTCTAAACGGAGGCTCGGCCACAACGCCACTGGATTGGTGGTAGGGC
GGGGCGGGCCACAGTCTCCAGCCTGAAGCGGAAGTGGAGGAAAGATGGAGGTGTGGGGAC
AGGAGCTGGGTGTGCTGGGGACTGGCCGCGGACCCCTAACCTGTGTCTCCGGTCTCCCTC
>EP73070 (+) Hs APOL3; range -499 to 100.

CGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGCCAGACCCCATCTCAAAAACAAAACAAAACAAAACA
ACAAAATAACCCCAACAGCAATACAATCAATATGCAATAAGCGTCCACCCGGCATGTGTG
ATGGACTGTGGTAATGCTGATGGCATGGAGGGAGTGAGGTGGGCATCTGGGGAGTGTGGT
GTTATTGGGGGTGGGGAGTAATCTGGAGGGTCTCATAGTCTTTAGTGGTAGGTCTTTCT
TCCTGAAGACACAGCAAACCCCCAACCTAAGTATGGGAGGCAGGTGGGTGGCCAAGAA
GGACGTCTGGGGCTGCTCTTGGATCAGCAGGAGGGTGGGACCAAGGGTGTCTGGACCA
AGGATGGGACTGGGCCAAGGGTGGGGCTGGGAAGCATCTGTTTTGCATGTTTGATCAGG
AGCTGCTGCCAAGTTGTGACTTTCACCTTTCCCTTTTGGGTTCAGGGTATATCTCAGAGC
CTGGAGAACGTGTCTGGTTATTATGCAGATGCACGGCTGGAGGTGGGATCCACACAGCTC
AGAACAGCTGGATCTTGCTCAGACTCTTCAAGAGAAGCTTCCTTGGTAAGTTAGGGGTG
>EP73071 (+) Hs RPL34; range -499 to 100.

CTGGATTAATAATCCCAATTTGTTTGTAAAGCTTGTGCTCTGAATAAATGACAAGGAAAGA
GAAGGGAAGGTTGAAGAAGGGAAGGTTCTGAAGGTCCCTGGTCTTGAAGGTCCCTTAA
CCATAATGTCAAGAGTTGGGATTTAAACCCAGGTCTAACGCCAGAGCTGGCGCCCTTA
GATTAAGTGCAGTGTCCATGACAACGAAAGAAGTTGATTTTGTCCACCTTTGCTCTT
TGCGGCTTTTCATTTGCGTTTGTTCACAGCGATTTCCAATAGATTTCTGCGTGGCCTT
GACACAGACAGCTAGTGTGAATCCCCGCCACAGAGGGGCGGCACGTTGTTGCCGTACA
ACGTGGTGGTTCCTTGCATCTCTGCCACGTGCGAGAGGTGCGTGGCTTCCGTACAACA
CGGATACTCTCTCTGACGCAACTTCCTGTCTGCGCAATTCTATTTGACCTTTGAACT
GGCAAAGGCTTTTTTCTTCTCTTCCGGGGACGTTGTCTGCAGGTATGGATGTTGTTCTC
TTTTCCCTGTCTTTATTTCTTACCAATCGGCTGCCATCCGAGGAGCTGAGGAAGCCTAG
>EP73072 (+) Hs WDR23; range -499 to 100.

GCTTCCAAAAGCTAAGCCCGAAGGACGGTATGGAGGTCTACTGGGACGCTGGGCACCCC
TTAGGGCAGAACCGACTGGAGCTGCGGCCAGCGACAGAAGAAGGCTCCAGCTGGACAGG
GGAAGCAGTGGGGAGAAAGGAGGCGCTTGGGCACTGTCTGAAAAGTGGCATGCCAAATGA
TCTTTAGGGACAGACAGATAAATTATCCCTTGCTAAAATACCTCTCGGTAGCGAACCCAC
CAAACGTTTCTTTTTTAAGCCCCGCTCTCAGCCGTTACGCCTAGTTCGGCTGTCTCTGA
TTCAGGAAGCTGGCAGTTCCTACTTCTCCTCCAGCAAGAGCTAACAGCCCTCCTTGG
GTGTGCACTTTCTCTCCCTCAGGCACCTCGCGATTCTCCCGCTACCTATCAATCAT
CGTGCTCCGCTGTCCAGTTGGCTGGCCAAGGGGGCGGGCCGTCGTGTGACGTTTGACGC
CCGCCGGCCAGGAAGCCGCGAGATGCGTGACGAGCGAAGCGGTGACGGAGGAGCGGTTG
GCCAACGCAGTGGCGGCACTCGGTGTAACAAGGCCTCGCGCCGCTGCGGGTCTGCGAC
>EP73073 (+) Hs SID6; range -499 to 100.

GCCTTATGGAGAAGATGGCATTGTAGTAAGCTACTTAGGGTTTTTGTCTGTAAAGTCGG
TGTCACGTCCTGTTTACGTGGTGGCCTGATCATTTTGTCTTATAGTGATGTCTTTGC
GTGCATGTGCGCTCATCTCTATATTGGACAGGGTCTAGAGCAGTTCCTGGCACAGAGTA
ATCACTCAATATTACATCACTATACTAAAAATCATGATAGTAATCTTGACGGGATAAA
TGAAGGCATGAATAAATGTATGAATTAACGAGTGGCAGTGAGCTCTTCAGGGGTGGTGGG
TCTTGCTCACTCGTCTTTGAGCTGCGGCTCGCTGAGGGCATAGTGCGCACAACCTGGCT
GGTGTTCAGATTCCACTGGCAGGGACAGGATCGCAGCCCGAGCGCCGGGGCGGGAGGG
ATGACTCCGGACGGTAGGGGGCACCGCGTGGCGCCGGCCGAGCCCCAGGTAGCTCCG
CGCGCACAGCAGGACCGTATTGACGCCATGAGCGCGCTGCTGCGGCTGCTGCGCACGGG
TGCCCCAGCCGCTGCGTGCTGCGGTTGGGGACAGTGACAGGGACCGGGTGGCGCCGTGC
>EP73074 (+) Hs DDX5; range -499 to 100.

GGGCGGGTCCCGGGGTGCGAGCAGCGCACTTCGGTGAGCTATTTGTTTTGTATCCCTC
CGCCGACGTCAACGGGAAAGTAGTGCGGACCGCTCTCTCGGTGGTCCGGGGTGGTACAGC
CACGTGACAACGCCAGGCCCGCCTTCCCCCTCTTTGGTTACAGACGTGAGGGCTCTTT
GGAGACGTAAACATCTCCAGTGGCGAGGGTGGGCGGGGCTGGGCTTGGGAAAGGGCGGG
GTGGCTTGCTTGAGGTGTGGAAGACCAGAAGAAGGTGAGGTCAAGAGAGTGCAGAAATGA
GGCATTCCAATGGTGGGTGGGCCCTGACCTGAGAGAGTGGCGCGGGGAGGGGTGAAAGCG
CGGCGATCTGGAACGCCAGCGGGCGTTGCGGCCTATGCGCGAGGGGCGGGGCGATTAGG
TCATAGAGCGGCTCCAGCGTTCCCTGCGGCGTAGGAGGCGGTCCAGACTATAAAGCGG
CTGCCGGAAGCGGCCGGCACCTCATTCATTTCTACCGTCTCTAGTAGTGACGCTTCGG
CTGGTGTCTCGGTGTCTTCTCCGCTGCCGCCCCGCAAGGCTTCGCCGTCTCGAGG
>EP73075 (+) Hs DUSP11; range -499 to 100.

ACCTGAAAACAACTAAAGGTCCATTAATATTGAACTGGCTAAATACGTTATGGTACTTTT
AATTATGTTACTCATAAGCAAGTAAATTGCCTATAGCCATTAATAATAGAAATCTATGTAT

GCATAAATTGACTGGGATAATCAGTGTTTAAGGTATACTGTAGAATATGTACAGTTACTC
CTTTTGTATAAAAAATAGAGGATATACATATATGTGAAAGTAAATATGTATACAAAATATG
CAAAATGTGAATGTAAGCGCTGGTAAATATCTAGAAGAACACACAAGGAACCGGGGCGTG
GGGCGGATCGGGCAGAGGGACTTCCCTGTGCCTCACTGTTTGAATTCTGAAGGGTGACATA
CACGCCCTTATTGACCTGTGCTACTGGCCTCTGGCTAAAGAGGGGCGCTGTAGCCACCAAA
GTCCTGTTTACAGATCAGGAGTCTCAGTAAGCCAGCGTGGCTACGCCATCACGACCGGCG
GTGGCACATGCGCAATAGCGAGACGCTGGAGCGCGGCGTAGGTGGCTGCCGAGTCTTTTC
CTGTTTAGGGTCTTATCCTGGCATTGAGGGCGCCGGACTGGCGCTTTTGGCCGACTTGGC
>EP73076 (+) Hs LOC81501; range -499 to 100.

TGACTTGGAAGCTAAATTTCTAAGATGGAAGTCACATGTATGAGTGGGAGGCATGAAAC
CAATTATTGACCTGTCTGGGGTCATGAGTGCAGAGGCGGCTCCTACGAACCATCTGCCT
CTTCAAGTGTGGATGAGAGGTGGGTATGGCGGATGCTTGTCAATTTCCAATGGCTCGAGT
GGATGTGGGGAGTATGGGAGTGAGGGCAAAAGAGAAAAGAGGGAGAGAGGCCGTCCAAGC
TTTCACAACTCACTCTCTTGTGTTTGAAAAATATCTGATTTTCAATTTTTCTATAATTAAT
TTCTAGAACATCTATTCTGAGGAAAATGCTAGAAAGAAATATGCTATTCATTTGTATCAG
CATTACTCTTTGTTGATATTAAATGGCTCAGTCACCTTTATGGGGGAAATAAGAGGTTGA
TTCATGGTGATGTGACCTCTCGACACTTCTGGTTCCCTTTTCTGCTATATATCAAGA
CCTACAGCCCTTGGGAAGTGCAATTTCTGCATTTCGAAGAAGAACTCTGAGAGAAACCTGTAA
GTAACCTTTTCAATAATCTTATTTCTAAAATTGCTTTTAAAAAAGTACTAGTAAATTGG
>EP73077 (+) Hs ALDH7A1; range -499 to 100.

ACAGTGAAAACAACCAACCCTTCCCCGCCCCCAATACAAACCCTCCGTTGCCTACTCC
AGGGACAAGAGGCGTCACCATCGCTGAGGAGCTGGTTAGGAATGTCGGCTCTCCGACCCT
AGCCCAGACTTACTGAATCAGAATGTGCATTTACCACGACGACCAGGTCATTACACGCAT
TTTACAGTTTCAGAACCCCTGCTATAGCCTACTGTACTTCAGCGCCAATATTTTGCTGAA
AAGAATTTCCAGCTGGAAGTGTGGCTCCCGGAGTCTTTCACCAGATGGCAGCAGCCCACT
CCTCCCTGTAGCACTCCCATTGTTCCAGGCAGGATTCAGCCGCAGGCTCCTCCGGAAGAC
CAGGGGCAGACGGGGCGGTGGCGGGGTCGTGCCCACTGGGAGGGGTGCGGTCTGCCCAAT
GGGTTCTCCCGGGCGGGGGCGGGGCTCTATTTACGACGCTCTCAGGGCCTTGGGCTCAT
CCCAGTCCCGGGCTCAGTATGTGGCGCCTTCTCGCGCGCTGTGTGTGCACGCTGCAAA
GACCAGCAAGCTCTCTGGACCTTGGAGCAGGCCTGCCGCCTTCATGTCCACTCTCTCAT
>EP73078 (+) Hs ITM2C; range -499 to 100.

GCCTCCTCCCCGCGCAAGGACAGGTCGGAGGAGGGGGCGTGGGGACAGGTAGAGCGGA
GGCTCCAGCGTTTCTAAAGGGGAAGACCTGAAGTGGGGCAGGAGAGACGGGTGAGTTGTC
TGGAAGCTGCATTTTGCTGGCAAACTGGGTTAACAAGAACTTGCCTTTCGCGGGATGCT
GGCCTTGACAGGGAATGCGAAGGGATTATGCTACGGAGAACGGATCCGAGCGTGACGGC
TGAATGAATGAGTGAGCGAGTGAGTGAGTGAGTGAGTGAGCGAGCGAGTGAGTGACTGTG
CGAGCGAGCGGCAGAAGGAACTCCGACCCGCCCAAGTGCGGAGCGGCGCGCCGGCAGG
GGTCACTGCGGGCCCCGCGGGCGGGAAGGGGGCGCAGGCGCGGCGGGCGCCGGGGCCCTC
CCGCGGGGACGGGGCGGGGAGGGCTGGGGGTGGGGTTAGAGAGAGGGACGCGAGCGGGAT
CCAAACTTCCGGTGCTGCGAGAGCTCGGAGCGGCGGAGGACAGAGACCGAGGCTGCACCGG
CAGAGGCTGCGGGGCGGACGCGCGGGCCGCGCAGCCATGGTGAAGATTAGCTTCCAGCC
>EP73079 (+) Hs TMEM14B; range -499 to 100.

CCTTCCTGGTGTAAACAAACAAGATCGGGCCAGAGTGACAATCCTCCCTGATGGCCCGCA
CCTGGTTTATACCCTCTATTAATGGGGTCTTCAAAATCATCAGATGCCCTCCTCCCGCA
GCGGTGGCCTCCACCTCTGGCCTGGCCAGCTTACGTGGTCCAGCTTGTGCAAGATCCAA
TTCCAACCTCCGGGTTTCCGGCTTTTGGCCACTCAGGATTGGACCTGGGACTGGAGCTGGT
CGGCCCTGCAGTGCTGGGCTGGGGACTGAGGAAGCACAGAGATTTCCCGCCCGGTTCC
CCGCCAACGGCGCTAGCCGCGATGCCCCGCCTCACTCCCCGCCCCCGGATGCAGGGCGC
GTGCTGGTAATCCGCGGCTCAAGCCCCGCCCCCACTGTCCCCATTCTCCGCTCACCTCTC
TCCAAGGACACTGCGCACGCGCCACGACGTCCCGCTTTCTCCCCGCCCTGCCGCGGGCC
CGGGGCGCAGCGCGCACGCAATCGCGTTTCCGGAGAGACCTGGCTGCTGTGTCCCGCGGC
TTGCGCTCCGTAGTGGACTCCGCGGGCCTTCGGCAGGTGCGGTGAGGTCTTTGGAGAGTA
>EP73080 (+) Hs FLJ12525; range -499 to 100.

TTACCTGCCACAAAAGCAGATTTTTTCAACCCAACTGTAAGTGTTCGATATGAGATATT
TCCTCTGTAGCCCTGCTTCAGTGTCAGTGTTTTACTAGGTTAGGTCCTGATTCACGGCA
ATAAAAATATACTTAAATCGCATTTTTCAGTTCACTGGATGACTACAATCAAGCTGCCAC
CCGCCGAGGGGAGCAAAATAAAATTCCTCTTGCAGTGAAGACATACCGCTTCCGGTCTGG
TACAGAAGCCGTTAGCAACCAGGAAATTGGCGGAACCTAGAGGCTGAACTCTTGCCCCCT
GGAGGGTTTGCTTTGTGAAAAGAACACTTCCGGCCGGTGAGTTTTTAACCCCGCATGTCA
TTAGGTGCGGCGCCCAATTCTGACGTTCCGATTGGCCATGCTGACGCTGGAAGGCGGGCTT
GCGTATGGGGTCACGCTCTCTATTGGCTGCTGGTGCGGTGGCGGTTCGGAGTGAGGGTA
GCACGCTGAGCTGAAGGCTGTGCGGAGCGGCGCGGCACAGAGCCTGTTGTTGAGCTCAGT
ATGTCGTGGGAATCCGGGGCCGGGCCAGGTCTAGGTTCCAGGGGATGGATCTCGTGTGG
>EP73081 (+) Hs KIF22; range -499 to 100.

CAGTGGCCTTGGGCCCAGCAGGCAGCGACTGCAACGTGACTGCCAGAGTCCAGCCCCTG

GGGCCAGATCTACAGAACCGACCAGACGTGATAGCCCTTTGGCTGGGGCTGCAGTCCCA
CGATCCACACAAACGACCCTGGCTCCGCGAGACGCGCAACCACCCACGGAGGCAAGAACT
GCAGAAAGTAAAGGGAAGGGAGCCAGTGCCGGGCGGCGCTGAGCAGCTCCCCAGCGG
CCACCGTCGCCAACATCCCTGCGTAGGGGTTTGTATCGCAGCGCGCTTCCAGACATCAAC
GGCTGCGCGGCCACGCGCGCGCATGCGTCCTGACCAGGGGAACCTTTTCTTGGGGACCC
GGAGGCGAGCGCTGGAAGGCGGGATAGTGCGGACCCACACGAGCAGCTTCCGGCGGCGC
GTAGTCTTGATTGGTGGAACCTGGGAGAGGGGGCGGGGCACCGGGGAATTGGAATGGGAG
AGGCGGGCCCAAGGAGGGAGTGGAATGGCCGCGGGCGGCTCGACGAGCAGAGGGCGACGC
GAGATGGCGGCAGCTTCAGCGCGGCGATCTCAGGTACTTGAGCCCGGCTGGGCAAGGC
>EP73082 (+) Hs SPP1; range -499 to 100.

TGCATACTCGAAATCACAAAGCTAAGCTTGAGTAGTAAAGGACAGAGGCAAGTTTTCTGA
ACTCCTTGACAGGCTTGAACAATAGCCTTCTGGCTCTTCAATAAGTACAATCATACAGGCA
AGAGTGGTTGCAGATATTACCTTTATGTTACTTAAACCGAAAGAAACAAAATCCATTCT
ATTTAATTTTACATTAATGTTTTCCCTACTTTCTCCCTTTTTCATGGGATCCCTAAGTG
CTCTTCTGGATGCTGAATGCCCATCCCGTAAATGAAAAAGCTAGTTAATGATATTGTAC
ATAAGTAATGTTTTAACTGTAGATTGTGTGTGTGCGTTTTTGTTTTTTTTGTTTTAACC
ACAAAACCAAGAGGGGAAGTGTGGAGCAGGTGGGCTGGGCAGTGGCAGAAAACCTCATG
ACACAATCTCTCCGCTCCCTGTGTTGGTGGAGGATGTCTGCAGCAGCATTTAAATTCTG
GGAGGGCTTGTTGTGACGAGCAGCAGGAGGAGGCAGAGCACAGCATCGTCGGGACCAGA
CTCGTCTCAGGCCAGTTGCAGCCTTCTCAGCCAAACGCCGACCAAGGTACAGCTTCAAGT
>EP73083 (+) Hs IL8; range -499 to 100.

CAGTTCCTAGAACTCTCTAAATGCTTAGAAAAAGATTTATTTTAAATTACCTCCCCAA
TAAATGATTGGCTGGCTTATCTTCACCATCATGATAGCATCTGTAATTAAGTAAAAA
AATAATTATGCCATTAAAAGAAAATCATCCATGATCTTGTCTAACACCTGCCACTCTAG
TACTATATCTGTACATGGTACTATGATAAAGTTATCTAGAAATAAAAAAGCATAACAATT
GATAATTCACCAAAATTGTGGAGCTTCAGTATTTTAAATGTATATTAATAATTAAATTATT
TAAAGATCAAAGAAAACCTTCGTCATACTCCGTATTTGATAAGGAACAAATAGGAAGTGT
GATGACTCAGGTTTGCCCTGAGGGGATGGGCCATCAGTTGCAAATCGTGGAATTTCTCT
GACATAATGAAAAGATGAGGGTGCAAGTTCTCTAGTAGGGTGATGATATAAAAGCCA
CCGGAGCACTCCATAAGGCACAACTTTAGAGACAGCAGAGCACACAAGCTTCTAGGAC
AAGAGCCAGGAAGAAACACCGGAAGGAACCATCTCACTGTGTGTAACATGACTTCCAA
>EP73084 (+) Hs CD63; range -499 to 100.

TGCACAGTCGGATGGGGAGGGGGCTTGACAGAGTTGGAGCCAGAGGAGAGCTGGCTC
ATCCCCACGGTAGGATGGGGAAACCTCACAGACCACATTGTACCCGCGCTCAGCTCTC
CGCCCCGCGCTCAGAGGGTAACCTCACCCACCTCGTCCGCTTCTCTGAACCAGAGTGA
CCCAGGCTGCGCTCCGCCCGCTCTCTACCCCGAGTTGGCACGGAGGTATAGCGCCAGA
GGGGGGCCCCAGGCGCCCCGAGGTCTTGCCCTTGCGGCTTTCCCTTTGCGGGGTGGGCG
CCTTCTTCCGGGTAGGGGGCCAGCTGGCCCTGGCGGGCGGGGGCTCGGCCACCCCGCG
CCGGGGCCAGTACTCAGGCCGAGCTGTTACCGGTACATGAGGGAGGCCGGCGGCCA
CTCGGCGGGGGAGGGGACCGTGGCTGGAGCCCGGGGCGGGGCGCGCGGCGAGGCGGGCG
GGAGCCGGGGGGCGCAGCTAGAGAGCCCCGAGCCGCGGGGAGAGGAACGCGCAGCCA
GCCTTGGAAGCCAGGTGAGCCGCGGGGACCCGGCGGACTTCGGCGCGGGCTGGGAGA
>EP73085 (+) Hs PMM2; range -499 to 100.

AACACAGTGAACCAGAGGATGGTTTCAGAGTCCTCAACTTAGTACCTAATGCACTGTGAG
AGCTCGGCGAGTTTTAGCTACTACTGTGCGCATGTGACCCAAGGAGGGCAAGAGAAA
GCCCCGGAAAAGCGAACTGTAAACACAGCCAGAGCTTCTCCACGGATCCTCGAGTCC
GAAACCCGAGCGTCGGGCTGCCCGCCCCAGCCCTGACCCCGACCCCAAAGAGCATCACC
CCCTCAAGGCTCGCCACCCGCTCTTACCATGGCCCCACCACTGCTGCCGGAAGTAAA
TCCCACCGCCCCCGAACCCTTAAGAGCGCATGCTCGAATGTACAAGCGGGCGTGATC
TGCGTTGCACCTTGGGAGTTGCGGTCCAGGAATCGTGGCTGCCGCTACTCCAGGCGTTA
TGGGAACGGAGTCCCCCTCTCTTCCCGACGTGCCCTGCGACTCAGCGGCCGAACCCGGAA
GTTCCGGGCCGAGTTCTCTGTCGAACGTGCTTGTAAAGGTGCGGCTAGAAACTGGGGAC
ATGGCAGCGCTGGCCAGCGCTCTGCCTCTTCGACGTGGATGGGACCCTCACCGCCCCG
>EP73086 (+) Hs STOML2; range -499 to 100.

CAATCGCCAGGCAATATTAGGCCAGTTTCCATGGCAACGGGATTGGGGTCAGTCCCCAG
TGGGAGTCTTGGGCACAACACAGCGGGACTACCAGAGAATATCACTATGGCAACCATGGC
AACGAGTCAGTCCAATCCACTAGTCGCTATGGTGACAGATGGGGGCGATACTACGCTCT
GGTGGGCAAACCTGAGTCTCGGGTGAGGACGAATAATTAGTGCGTGGTGTCTGAGTGATA
ATGCCCGCGAAAAATAGCCTCCATTTTGGCCATCAGGCCGGGGATCTTCGGCGTGAACAG
CTAAACCCAGAAACAACCACAGCCTTCGCCCTTCTCTAGAAGGTCTGCGTTTCCAGGGAA
CAACTTGACGCGCGGTTTCGACCAAGTAACGCTGATTGGGTGAGTGTGAAGCGGGGGAGG
GAGCTGCCGGAAGTACATCCGGGGAGCGGAAGTGAAGAGGAAAGGCTCGGGTAGGCTT
CTGGGAGCGACCGCTCCGCTCGTCTCGTTGGTTCGGAGGTGCTGCGGCGGTGGGAAAT
GCTGGCGCGCGGGCGGGGCACTGGGGCCCTTTTGTGAGGGTGAGAGCGAGGCAACC
>EP73087 (+) Hs DREV1; range -499 to 100.

GTGTGTCAGGATGCACGAAAGGAATGACTCCCTCTTTGCGCCCCGGGGTTAACTGCAC
GACCTGTCAAAGTCCCGCCGTGGAGTGGGATGAGGGTCGAGAGGTAACCTGTCAAAGT
CCCCCGTGGAGTGGGATGAGGCGAGGAAAGACTGGAGGTCCTTCCAGCACCACTTGA
GGGGCAGGGAGGCTGCAGTTACCGCTTTCGGAAGTGATCTCTCAGCCCTCAAAAAATT
AAAACCACTCCGCCATTTACTAGAGGCCAAGGCAGGGCCGGGACACGAGAACGCGCTCC
GGGCGGATGCGCGCTCCCTTTGTCCCGCTCCAGCGGCCCGCTCATTGGACGGAGGGAG
GGCGCCGGGGGAGAAAGCGACGCGGCCGCTCGTAAGTGCTCCGGATGGAACTGGTGCAG
GGGGCAGCGGCTTCCGCGGCCGAAGGGAAGGGGGAGGTGCCGAGGTCGCGCGCCGCT
GCTCTCCCCACCCACGCTTTGCCCTGAAGGGGGCTGGATGGGCAAGCGGCCGCGAT
GGCTCGAGCTCGGGCGGTGGCGGCGGTGGCCGGAGGCGGCGGTGCCTCTCTCTCGCC
>EP73088 (+) Hs GNPI; range -499 to 100.

TTGATCTTTAAAAAAGGACATTAAAAAGCCCAATTGTACTTTAAACAACAAGTTTAA
TACTTGGGTAATAAATGGCATCTAAACAAAGAAAGAACTGAAGGCAGAGCCAGGCCCA
ACCCTAGGAGACTGAGGAAGCGATTCTGCTTTGCCTGCCCCAGCTCAACCCCTGCACTA
AAACCCCCCGGCCCCAGCCCCAAGGTCCAGGGGGTTGTATTCTGGGGGCGACCCGGCGC
CCCTCAAGTCTCCCTCTCTTGACACACACACACAAACCAGACTCGAATCCCCGCT
CCCAAGGGAAAGTGTTTTTTAAAGTCTGTTCCAGGGCTGCCGGGGCCAGGGACCGAGGT
GGGACTGAGTGGCCGGAACCTCTCACCTGGGAGAGTCGTTCCGGGTAGCTGCGGCCAAG
CTGAGTCAGCCCGGCGGGCGCGCACGCGGCGCGCGTGACCCGACGCCACGTGACCCGC
GCGGGGCCGGGCCGCCGGCGCAGTCGCTGCAGCCGCCGCGGGAGGCGTCCGTGTAAGTGG
GTAGCAGGGCTGGCGGGGACCTTCTCGCGGGCCGGAGCGCGGAGCGCTGCCCCAGCCCT
>EP73089 (+) Hs MMP11; range -499 to 100.

AAAAAATAAAATAATATCCCTTCTCACAGGGGCTATTGTGTCATCTTCTAGAAGGATC
CGTTGAGGCTCTGAGGGGTGGGGGAACCTTCTTGTGGGTAGGACCACCTGTCAGAGGTCA
GAGGTCAGGCCACCAAGGAGACCCAGTGGGATGCGCCTTCCAAAGGTGGGGGTACGGATG
GGACCCATGAAACCTGACTCTCTCAGACTCTAGCCAAGTCTAAGACTTTGGACGGCCAC
CAGCCAGAGGAGAACTGAGACCCAGAGCGGCACGGGTTGGCCAGGGTCACCCAGCACCA
GATAGGGACTTTGCCAGCCCCGGGGCAGGACCCTGTCTCCGGCCCTCGACCCCGCTGGGC
CGTACCCTCCCCGTTACCTCCCCCACCGGGCCGCGGCTGCTAGGAGAGTTCAGAACAA
AAGGCGGCGGGGGCGGGGCCGAGGCGGGCCGGGGGTGGGGCGGAAGCTATAAGGGGCGG
CGCCCCGAGCGGCCAGCAAGCCCAGCAGCCCCGGGGCGGATGGCTCCGGCCGCTGGC
TCCGCAGCGCGGCCGCGCGCCCTCTGCCCCGATGCTGCTGCTGCTCCAGCCGC
>EP73093 (+) Hs CASQ2; range -499 to 100.

GAGGATGAACAACCAACCGTGAGGGGACAGGCTGAGTTACCACTGGGGTGATTTAACAA
TTCAGTAATGTATGAGTGTATTCCGTATGTTTGAAGTCTCCATTTGCTTATTGGCACCA
TAGTCCCTTATCTCTCTCCCTCTCGAGTTTCTTTCTTCTTTGACCTTTCTAGCCTCT
TATTTTCATGCGTGATATTCTTGTCTTTTTCTTCTGCTCTTCCCTCTTACCAGTCGG
ACAGACTGTATCAGCGAATCCCTCTACAGTGTGATCTAACTTTTTTATTATTGCATG
ATTTATTTTAGCCTGAAACAACTGCATCTTAAATGGAGTTCCTAATGAGACAGAGGC
TGAGCAGAGCTATGTAAGGTATCTGGGGCTTGGCCTCCAGCCTCCCTAGCTTGGCTGTT
TTTCTACTCTCATGCGTGCGTGCGTGCGTGCGTGCGTGCGTGCGTGCGTGCTCTT
GTCTGAGCCACGATTCCAGAGCTGGCTGGACCAAGGAGGTGAAGAGTCACTTTTCA
CCCCAGGAAGGGCAAAGAAGAGAGAAAATCAGCCTGTCTGCTCTCTCTTGGCTCAACAA
>EP73094 (+) Hs HDAC1; range -499 to 100.

CAAGTCACTTTTCCCTGTAGGCCTCGGTTTATTCTCCGTAAAAATCAGAAAGTTGGCCTC
CGATCTCCAAGCACGCTTTTACGACGAAGTGGGACTGTTAAGTTTACAGAGCTGCTTTC
CTCCCCCGGACTGATGGTACGGTCCCCGGGCGGCTCCCCACCCATCTGTCGAGACCTT
GGTACAGGCCAGGGGGCCCTCGCGGCCCTCTCCGGGCTGCCCTTGCCCCCTGCCGAGTT
CCGGGCCGTGTCTGCGCAAGCTGATTGGCTGGAGCGGTGCCCGGGCTGCGCGGCTATAG
GTGAGCCCCAGGAGGGGACGGGCGGGGCGGGAGGCCCCGCCCCCTCCCCCTGGGTGCG
GACGCTGAGCGGAGCCGCGGGCGGGAGGGCGGACGGACCGACTGACGGTAGGGACGGGAG
GCGAGCAAGATGGCGCAGACGCAAGGACCCGGAGGAAAGTCTGTTACTACTACGACGGT
GAGCACCGTCTCGCGGGGGGGCGGGGCCAGGCCGGGCGGACCGGGAACCTGGAGGCT
GAGGCTGGAGCGCCGATGGGAGGCTGCGGGAGGCTGAGGCGCTGGGGAGAGGCTCGGAGA
>EP73095 (+) Hs MEP50; range -499 to 100.

TAAACCTATGTACCCCTCTTTCCCGTCCCTCAAGACCCACGCTCCCTTCCGAAGTGCAC
TGACCACTCGCCTCTCAGGCCGTGTGCTGCGCCCTTCTCCCCTCCCTGTCACCCCTAG
ATTCGCTTCTTTCCAATCACTCTGATAGTCCAGAGCAGGGTCTATACCCCTTACCCGCTG
TGGCGGCGGGCGAAAGTACCACCCGGGACAGCATGGTCAACGAAAGTCCAGGTAGCAATC
TTAGCGTCCCTGTGACCCCGATAGGAGAATCTGTGAGGGCAGGACCAAGATGGCCGCTCA
CAAGTCTCGCGAGATGAAATTTTGTACTTCTCTTCAACTTTCTTGGGAGATTTTAA
AAAAAATTATCGCGAGAAGAGTCAAGTAACGCTGAGAGCCTATCGCATGAGGGCGACAGC
CGGAAAGCAGGATGGAGCCATAGAAGCAATTCTCGCGAGAAGTAGAGTTGCGGTTCCCTC
GGGAGAGGGGCGGAGGCTCAGAGGTGCACCACGTGGGGTTTGTCTGCCGAGCGGAGTCTC
CGCCCGCGCTCAGTTTGAAGTCTAGGTTGGAGTTGGAACCGTGGAGATGCGGAAGGAAAC

>EP73096 (+) Hs MGC5306; range -499 to 100.

CCTTCTCCAATATTTTAAACACACAAGGGTTTCTGAAGGCAGAAATAGACAAAGGATTACA
AAACACTCAGGCACACATCCACCCGTCACCCCTCGCCACACACCCGGGACCAGATTTAGA
AAGCCAGGCGACAGCTCAGCAAACGCGAGACCACCGAAACGAACCGGGCTGAGAGGCTG
TTTCTCACAGTTCTCATCCACTCACAAGTGACCGCACGTTTTGTTTTTGTATTGCGG
AAATGTTCTTGCTATTCCACTCACCTAAACGGTCACGGTAGCAAAACACCCAGAGTCCG
GATCTTCGCCTAGGCCAACCCGCTCCTCAGAATACGCGAGCTAGAGCTCCGCCACGT
TAGTCAGTCTCTCCTGCGCGGCGAGAAAAATGGCGCCCCACGTCGCGTCTCTCCACC
GCTCGCTTCTTCCCGAAGCTAAGTTGTATCGCGAGATTCGGCCTGACTATTACTTG
GCCACGGAATAGCCAACCCCTTTCTTCCGCACGGTTGGAGGAGGTGCGCTGTTATCGG
GAGTTGGAGGGCTGAGGTGCGGAGGGTGGTGTGTACAGAGCTCTAGGACACCAGGCCAGT

>EP73097 (+) Hs HSPCA; range -499 to 100.

CCGGGCGCGTGAGACCCGGGCGCTCTCCGTCCACGCACGACCCCTCCCTCCAGGCGCGCC
TCCCACCCCGGCCCCGCGTTCCGCTCAGCCCGGGTGACCAACTACACCTCACTTCAAAGG
CCCCACGCCCGGGCGTGCCCTCCGCCCGCCGCGCAGGTGGGGGTGCAGGGCGGAGGG
CGCGGGCGGGCCAGAAAGCGCCCGGACCTTCCCGAGAATTCGGGCGCGCAGGCGCAT
TGAGGCGGCGCGGGGGCGTGCAGAGGCGCGCGGCGCGATTGAGGGAAGGTTGCCCGG
GCCGGGCCACGAGCAGGGCGCTGCGCGCGCCGCGAGGAAGCGCGGGGGCGGGGTGCCCG
GCAACGGCGCATGCGTAGGCGCGCGGCCGCGGCGGGCTGGGGAGGGTTCTTCCGGAAG
GTTGCGGAGGCTTCTGAAAAAGCGCGCGCGCTGGGCGGGCCGTCGCTATATAAGGCA
GGCGCGGGGGTGGCGCGTCAGTTGCTTCAGCGTCCCGGTGTGGCTGTGCCGTTGGTCTG
TGCGGTCACTTAGCCAAGGTGACGGGTGGTTGTGGGGGCTGTGGAGGTGGACTGGGGAC

>EP73098 (+) Hs UBL5; range -499 to 100.

GCCAGAGGGAAGAGGTGAGCCAAATGCTACCAAGCCCAGCCCTGAATGAACCCAGGGGG
TCAGAAGGGATGACTGCAGAACTCGTCCCCACCCCCACCTCCGCCCTTGCTCCTAGTT
GCCGCTGCAAGAGGCTTCGGGCTCAGGATCAGGAGCTTACCCCTACTCCCGGACCCCT
GGCGTCCCCACCATGTGACCGAGTCTCCCTGCAACAAACAATGACTTCAAACGAGCTGGG
CGCCGGCGCCTGACCTCTGACTCTCGCTCCACGCCCTTCCCTGGCCACAAACCCGCCGA
GGCCCCCTCTTACCCGGCGCGCTACCAAGGCGCGACACCTGTCAAGCCTTGGGACA
CCGAAACCGTACCTGGGAACAGCAACACACACAGACTGCAGACCCGGAAGAACTTGTC
CCAGTGTTGACCACACCCCTGGCTAGGGGCGAGGCTTCCGGCTCGAACTTTAACTTCC
GCTTCCGTTCTAGCGTTAACTGCGACCGGGGTTACGCGCTCGGGTGAGGAGCTGGTGG
CGTCGGCAGGTTTCGAGGCGATTTCGAGGTGAGGGGGTCAAGCGGAGAGGCTCGGAGTCGGA

>EP73099 (+) Hs MGC3222; range -499 to 100.

GCCTCAGGTGCCCCGCGCCCGCGTGGTTCGCGGGGCGCCGGGGCCCGCGTGTCTCCCGCA
GGCCCTCGTAGGCCGCTCTCCGTGGCAGCCCGCCCTCCCTACCTTCTGCCGGAATAGG
ACATGGCTGCAGCCGTCCTTGAGACCTTGCAAGAAGCGGCGGTGGCGGCAGTGCACCTT
TACGCCGTGACCTCCCTCTCTCTGGCAGGGCGGGCTCCTCCGAAGCCCGCGCGGACCCG
CCCCCTCCAGGCTGCCCGCGCGCGCTGCCTCGGCGCCCTCGCAACCGCGGCCAGGC
CAACCTCAGCCGAAACTACATTTCCAGCAGGTGCGCGCTCCTCGACAGCTCTCCAGG
CAGTAGAAACTACATTTCCCGAAAGCTTTGCAGTGCGCAGGCGCATCAATGAGGTAAGT
CAATGTCCCGGACCGTATAGTTTCCAGGAGCTCTCGCCGCGCGCATGCCAGAAACACTG
GGCACAGGGGGAGGTAAGTGCAGTAAGTCCCGCTTGGCCCTGGAGTCCACGCGGATTTTC
GAAGCTGGGGCTGGCAAGAGGCCGCTGGACACCACGCTCCAGTCTGACGCCACTTCTCTA

>EP73100 (+) Hs KAI1; range -499 to 100.

GCTACCCGCCGAGATGAGAGGGGAGGGCAGGGCAGGATTAGGAAGGCGCTGAGCCCAG
GCTGGTGCGGGGAGGGGCGTGGCCTCACCTACTAGGGCCGGGGATGGGGTGGGCTCGA
AGGAGAAAGTGAAGGAGGCGGGGCGCTGGGAGGGCCCGGAGGAGACCGGAGGACGAG
GTAGGCGGGAGCTGGGCGGGACCGTTAGGCAGCGCCGTGAGTGACAGGGCTGGAGCGGG
GCGGGCTTAATCCCCAGTGTAACTGGGGGCGGGGCTGCCGGGATAGAGGAGAGACTCCG
TAGCGGGGCGGGGCTCAGCTCCAGCTGGGCCCCGGGGGCGAGGCTGGTTGGGGTACGGCC
ATAGTGGGCGGGGCTGGCCGGCGGGAGCGCACCGCCTTCCCAAAGGGCTCGGGGGCGGG
GCCGGCGGAGGGGGCGTGTCTTCTGGGGGCGGGGCTGCCGAGTCCGCGGCGTTCCCCGG
CTGCAGCCGGGAGGGGGCCGAGGAGTACTGAGCCCCGGGCTGTGAGTCCGACGCCGAC
TGAGGCACGAGCGGGTGACGTGGGCTGCAGCGGGAGCAGAAAGCAGAAACCCGAGGT
>EP73101 (+) Hs NP; range -499 to 100.

TGCTCTCTAAACCCTGTATCTTCAAGTTAGCACTGTTGCCGGGGGCGACCCAGCTTCC
CTGTGTCAGGGAGCAACTCAGACACAGTCTCGCTTCATTTTATTCTGGGGTTGTACAAT
CTAAGGTATGAAATTTTCTTTTGAATCTCTCACGGTTTGCTATTGACACAGCTGGAA
TGAGGTTGCAAGGAGAGGGCTGGGGGCTCTCTCCCTACTTCTAGCCCTATTTCCGCATA
GGCCTTCTTGCTGGGAACCTTGCCTGCGGACTGGAATGGGTACCGAGATGAAATGCTG
GGTGCGCTCCGGCTCCCCCGCCCCGGGGCAGAAAGTTTAGGGCTGGGAAGAACTC
TGATTAGGTTTACAGCCAGGTTTACGCCGATTGAATTAGGGTGTGTACCATGGAGACAG
GGCCGGCCCGCTGCTCGCTTGCCATTGGCTGGGGACTCCAGGGCAAGGGATATAAGCCA
GAGCCTAGACAGTGAGCCAACTGTGCGAACCAAGACCCGGCAGCCTTGCTCAGTTCAGCA

TAGCGGAGCGGATCCGATCGGATCGGAGCGGATCGGAGCACACCGGAGCAGGCTCATCGA
>EP73102 (+) Hs CARS; range -499 to 100.

GCTCCAGAATGGGGTCTGAGAAGGAGATGGAGAAGCCTGTTACGCAACACTTCATAGTG
GCTTGCTTTCCGCAGGGTCATTGGCAGGGCGGTCCCTAGGCCTGGAGCGCTTTCCCGCC
CATCCCCAGGCCCTGCTCCAGGTCGGCCTCCTGGGAACCATCCCGTCTCGCCAGCACACC
CTGTCCCAGGGCCGCTCTGACCTCCAGGCTGGGCCTGGTCCCCACGGCGCTTAGCGCAA
TCATGACTTAAACACCTATTACAGGACGCTCAGTCTTTAGTGCTTGTCTCCCGCGGCTG
GGCTGACTACTCCAGCACGGCCACTGAACGCTTGGCCGCGCGATGCTCCGGAGCGCGGG
TCGCCATTGGGTGAACCTACAGCTCCAGCATGCTCCGGGCCGGCGACATCCGGAGCCCC
TGGTAGTTGCCTAGCGACCGGGCGTGTCCCGGAAGACGGGCCCCGGCGTGGGGCGCGACTT
CCGGGGCGGGCGGTTGCATCAGATTCTAGGAAGTGTCTGTAGCCGACGCTGCGGGTCCGGG
ATTCCAGCCATGGCAGATTCTCCGGGCAGCAGGTGAGCGGCGCGGCCGGGCCAGGCT
>EP73103 (+) Hs CBARA1; range -499 to 100.

CAGAGGAAGTGGTGAGGGTTTCTAAATCCAAAAAAGTCTCAAGGTTATGAAACAGGAACA
TTTAATCTCTGAGAAAACCTAAACGGAGTTGGAAAGAAACAATTTCCAACCTACTGTGGT
CCAGTTTTCTTTTACGAACTCCTTTTTGCTTAGCCAACATAGCCAACACGAAAACGGGT
ACCGAGGAGGTGTTACAAGCCACAGTAAATTTCTCAACAGATTCTATGACCTTGTGGA
GGGGAAAAAAACCAGAAGAAATGCCCGAGAGCTTCTGGGAGCTCTCCAGCTTTCCCGCCT
AAACGCTGAGGGGAGTAAGGGGGAGTGACGGGGCTAGGGCGGGGCCGAGGCTGGGGCGT
GGCGCGTTGATTTCCCGGCCCTCCCGTTCTTTTCTCTGTGCCCTCCACACGCCT
GTCTCCACGATCCCGACAGGCCAGCGGCTAGGAGAGTCACGTGAGAGTGGGCGGAGGGG
GTGGAGGTTTGTCTCCGCTGTTTCATCTCTATGGCTGTCAGAGGTGGGCGGCTTTGACCG
AGAGGCTGCTGGAGCTCGTGTGGACGCGTGAGTCTTGACTCTGGAGGGTATAAGGAG
>EP73104 (+) Hs RELA; range -499 to 100.

CATTTTAACGTGCTTCTGAGACAGCCACCACCGAAAGGCACCTTTAGCGGTTAGGAAACC
CGCGCGGAGTTCAACCACCCGGCCTCTGCGGAGCAGAAGGCCCGGTGCGGCTTTTCCCTG
CGCGGGGCGGGCGGCCGAGCCAGTAGCCCTGGCTTTGCTCCAGACCCGGCCAGAGTG
ACATCACAAACTCCGCCGATCGGCGGGAGGGGGCCCTGAAATCCCCTAAAAACAAAGTG
AGTAATCGGCGGACCCACCCTCCAGGCGGGGCCGGGACCCGGGAGCTAGCCGAGCCACCG
GGCACGCCAGCTCTTCGTCTCGGCGAGGCGCGCACTTGGCCCCGACCCCGGCAGCGG
CTGTGCGTGACGCTCTTCGTCTCCGCGGGCGTGCACCTTGTCTCCGGCCCCCTGCGCCG
GGCGGGCGGGGCGAGCGCGCAGGCGCGGCCGATTCCGGGCGAGTGACGCGACGGCGGGC
CGCGCGGCGCATTTCCGCCCTTGCGCAATGGCTCGTCTGTAGTGACGCCGCGGGGCCAG
CTGCGACCCCGGCCCGGCCCGGCATGGACGGTGAGGTGCGCCCTCTGACC
>EP73105 (+) Hs LGTN; range -499 to 100.

TTTTTTTTTTTTTTATTTTGTATTTTATGGAGATGGGGTTTCGCCATGTTGCCCAGGC
TGGTCTCGAACTTCTGGGCTTAAGCGGTCCGCCCGCCTCGGCCTCCCAAAGTCTGGGATA
ACAGGCTTGGGCCACCGCGCCCGGCCGAAGCTGAACTGTTTATCAGTTCAATTATTTT
GCGGAATTGAACCGAACGAATGGAATGGGAGCTTGCAGAGAGCTTCTACTCAAAGCAGT
TCCTAAGGTTGATGGGGTGAAGGAAATAAACAGAACAGCTATTGGCGTGCCGAGTCGC
TACGGACGGGAACCCGAGCCGCTCGCGCAGGCGCAGAGCCAGGCCCGCGAGGGGATGGG
AAGGTGGGGGGGAGGGGCGTTCCCTGGGCCCTGCCCTCCCTGCCCTGCTTTAGTTCCAG
GTACCGCCACTGGGGGCGGCCGCGGCCTCCCCAGCGGCAACGGCCACGAAGCTGCGCGGC
CCTGGTTTCCAGCCGGGCCCTTTTTCGCGGCCGGGCCCCAGCATGGCTGCCCCACGGCTG
AGGGCCTGGCAGCTGCTGCGCCCTCGCTTTCTTGACATTCCCTGGCTTCTGTGCTCTCTT
>EP73106 (+) Hs ZFP36L1; range -499 to 100.

AGCTCCCGCTGGCAAAAAGAGAAAGTCGAGCCCGCCTTCTGCCCAACAAAAACAACAA
CATGACAACAAGAACCCCGGAGGGAGTGAATGAGTGACGTACAGCCGCGCTCTGAGGC
TGACAAAGGAGGGGCGCGCCCTCCGCTCTGCGCCGCGCGGCCCGGAGAGGGGGCG
CCTGAAGCGCCGGGTAGGGAAGTCAGCCGACTTGAAACTTTTCTCTTAAAGAAAAAAA
AAAAAAGTTGTGCGCGGCTCACAGTGGGGTTTTTTTTTCCGCCTTCTTTCTCGTCTCC
CCTCCCCCTTCTTCTTTTGAAGTTTCTTCTCTCCCTGCCCCCTCCCCGCCTGA
CCGCATGGCTGATTCAACTCCAGTGTAATCAACTTCTTTTCTCTCTTCTCTATTTA
AATAAGTTTAAAGCTCTCTCTCCCCCGGCCACCAATCTGAACCTTATAAATTGGGCT
TTGCGCGCCCCAGCCGGAGTCAGAAAGGCGAGGGGCGCCGGGAAGTGGCGTGTGGGACT
CCAGACAGGAGAGGCTGCGCCTTCCCCGACCGGGACCTTCGCGACACACCAGATCCTCG
>EP73107 (+) Hs IGFBP3; range -499 to 100.

AAGTCAGAAATGTCCCAAGACTTCGCTGCCAACGGAATTAATTTTAGAAAGCTCCACG
AGGTACACACGAATGCGGAGCGCTGTATGCCAGTTTCCCCGACACCGGCTCGCCGCAGGG
AGACCTCACCCCGAGAGCGGAAGGGGTAAGGGCGGCGGGGTCAAGGAGATCGGGGGTGT
GAGTTGGCCAGGAGTACTGGGGTGACCGGGGTGCTGAGGTGGCTGGAGTGCCGGGGT
GGCCGGGCACACCTTGTTCTTGTAGACGACAAGGTGACCCGGGCTCCGGGCGTGCGCAC
GAGGAGCAGGTGCCCGGGCAGTCTCGAGCTGCACGCCCCGAGCTCGGCCCCGGCTGCT
CAGGGCGAAGCACGGGCCCCCGCAGCCGTGCTGCGCCGACCCGCCCTCCCAACCC
CACTCTGGGCGCGCGTTCCGGGGCGTGTCTGGGCCACCCCGGCTTCTATATAGCGGC

CGGCGCGCCCGGGCCGCCAGATGCGAGCACTGCGGCTGGGCGCTGAGGATCAGCCGCTT
CCTGCCTGGATTCCACAGCTTCGCGCCGTGTACTGTCGCCCCATCCCTGCGCGCCAGCC
>EP73108 (+) Hs CD44; range -499 to 100.

CACTGCGCCACCCAGGGCAAGACCTCGCCCTCTCTCCAGCTCCTCTCCAGGATATCCAA
CATCCTGTGAAACCCAGAGATCTTGCTCCAGCCGGATTAGAGAAATTTAGCGGGAAAGG
AGAGGCCAAAGGCTGAACCAATGGTGCAAGGTTTTACGGTTTCGGTCATCCTCTGCTCTG
ACGCCGCGGGGCCAGCGGGAGAAGAAAGCCAGTGCGTCTCTGGGCGCAGGGGCCAGTGGG
GCTCGGAGGCACAGGCACCCCGCAGACTCCAGTTCCCGACCCACGTCCCTGGCAGCC
CCGATTATTTACAGCCTCAGCAGAGCACGGGGCGGGGGCAGAGGGGCCCGCCGGGAGGG
CTGCTACTTCTTAAACCTCTGCGGGCTGCTTAGTCACAGCCCCCTTGCTTGGGTGTGT
CCTTCGCTCGCTCCCTCCCTCCGTCTTAGGTCACTGTTTTCAACCTCGAATAAAACTGC
AGCCAACCTCCGAGGCAGCCTCATTGCCAGCGGACCCAGCCTCTGCCAGGTTTCGGTCC
GCCATCCTCGTCCCGTCTCCGCCGGCCCTGCCCGCGCCAGGGATCCTCCAGCTCCT
>EP73109 (+) Hs FBP1; range -499 to 100.

GACAGAAGGGCCAGGTGACAGGCCAGGCAGAGTGACGGGGCTTGGGCAGGGGGCGGGGG
CAGGCAGCCACACGGGGCAGGAGCTGCAGAGCTAAAGCCAGGCCATGTGGACTGGCTGCG
GGTTTTCGCTAGCTGGTGGCATTGAGCAAGTTACTTAACCTTTCTGAACCTCCGTTT
TATGATTTTGGAGGAACAGTCATAGCTTTCTCTGCGAGAGTCCGATGGCCCGAGTCC
CGCTCCACAGTGCGGGTGGAGGGCACGGAGGGGTGTGTGTGGGGGGCGACAGCCAGGAA
GACTAGGGGGCGGCAGGGCGCGTGGGGGGGGGGTGGGAGACCGAGGGAGGATCCCCG
ACCTTGTCTGAAGATCCAAGCAGGCGGAGCCGCGGTCTGGTCCGCGGGGTAGGCGGGGCG
CAAGAGTGTTCCCGGGGGCGGGGGGCCACCCGCGTCTAAAGGTTTCCGCGATTACCCG
CCGGCGCCTGGCCTGGCCAGTTGCACCACGAGCGCTGCGGACACTCGGGGCGGCAGTCG
GTCTGTACGTCTCCCGCCAGTCCCGCGGCCCGCACCTGCCGCCCGCACCTGCAGTCC
>EP73110 (+) Hs PPGB; range -499 to 100.

GCCGTGGGCGAAGCTCTCCACGCGTGTGGCCCGCTCCAGAGGGGTCCACGCGGATGTT
GGCACCGTGACCCGATGGAAGCGGGTGGGAGGGGGCTCCGGGCGCTCGAGTCCCCAGAG
TGACCCGAATCCACGGGCTCGGAGGCAGCAGCCATCTCTCGGCCATAGGGCAGGCCAGC
TGGCGCCGGGGGCTATTTTGGGCGGGCGGCAATGATGGTGACCGCAAGGCGACCTTGTA
GGCATTTCCTCCCTGACTCCCTTCCCGAGCCTCTGCCCGGGGGTCTAGCGCCGCTTTC
TCAGCCATCCCGCTACAACCTAGCCGTCACAAACAGGATCATCTGATCGCGTGCGCCCG
GGCTACGATCTGCGAGGCCCGCGGACCTTGACCCGGCATTGACCGCCACCGCCCCCAGG
TCCGTAGGGACCAAAGAAGGGCGGGAGGAAGACTGTCACGTGGCGCGCGAGTTACGCTG
ACTCGTACACATGACTTCCAGTCCCGGGCGCCTCCTGGAGAGCAAGGACGCGGGGGAGC
AGAGGTGAGCTGGCACCGGAGGCTGGAGGGGATCCCCGAGCCCGGATCGGTGCGCGGCA
>EP73111 (+) Hs RNF2; range -499 to 100.

CCGAAGTTCATGTGAAGTTCTGCAACCAAAGCCTGATGAGGATTTCCGCCGGGTGGGAC
AGGTTTAAGAGGACGAATCATGAGAAAGAAGTCTGAGCCCAAACCCAGAAGCCGGCCA
GGAAGGTGTAAAGGTGGGCCGAAGCCAGGGCAGAAGAACCAAGCAGAAGGTTGAGCAC
GAGGTGGCTGCGCCGTATCCGGGCGTTGCCCGGGGGTACGTGCGACGCGGTGGGCGC
CGGGGGGGCGTGCCCGGCCAGCCAGGGCGGGGCGGTGGCGCGGGTTCTCCAGGCCAACA
CGCGGCGGGCGACCCCTCCCTCGCGCCGCGGGCCTCCCGCGCCGTGCACGTCTCTGTC
GCGCTCCGCCCTCGCTCGCTCGCTCCTTCCCGCCCTCCCGCAGCGCCGGCCGAGCCG
GCTTCCCTCAGTCTCTCATGAATATTGAGCGGCCCTGTTGTATTTCCCGAGCTCCATT
GCGGAAGCTGAGGCTCGCCATATTGTGCGGCGGCGCGGGCGTCCGCGGCAGCTGATACCA
GAGTCTTGCTCCGGCCGCGGCCAGCGGAGCCCTGGGCTGGGGCAGGAGCCGGTGAGTGGG
>EP73112 (+) Hs NONO; range -499 to 100.

CATTGAATACAATGACATTGTTACTCTTGCTTCTTGACAGGCGCAGTGACAGGACTGCTC
CGAGCAGCCTACGCGCGCATTTTCTCCCTTCTCTCCCTCTTCCACTTTCTCTCTCCC
TTTTTCTCCTCTCCTTTCCCTTCCCACTTGGTCTTTTCACTTTTCACTTTCTCTCCC
TTAGGTCTCTCCTTCCGACCCCCACCCCACTCTCTCCTTTTCTTTTCCCTTCCCT
CTTTCTTTTCCCGTCTCACGCGCCAGGCCGCTTGACATGCGCATTAGGTACAAAGCCTC
GCTCTTTGTCCCATCTGTGTTACACGAACCAAGCCTTTGGCATTTCGGCAGCCAATA
GAATCTAAGAAATGGCGGAAAAATGATTCCGCTCGGGAGCTAAACCTTGATTGGCAGTT
TAGCTAACCAATCGAGAACGCCATTTTGTACCCCTTGGCAGGCACCGAGCTCCGTCTCT
CGTTTCCGGCGGTGCGCGCTCTTTTCTCGGGACGGGAGAGGCCGTGTAGCGTGCCTGTT
ACTCCGAGGAGATACAGTCCGTAGAGGGTGAGTTTTGGGACGTCTTGTTCTTGTGTTGG
>EP73113 (+) Hs MKLN1; range -499 to 100.

GGACAAGACATTTAAACACAGGACCACTCCAGGAGGACAGCACATTAGCTACTGCCCTCC
AGCTCCCTTCACTGTTGTTTCCGTAAAGGACTTATAAACTGGCGAGGGCGGTGGCTTCCA
AAAGCGCACAGGCGTCCCTTTTCAACTTGGTCTTCTTATTTTCCCTTCTGCTCCATAA
CTACAACGTGTTTCTGTTCTGAATCATCTCGGCTTTTCTTACCTCTGCTTGTAAAGAAA
GTCCTTTGCGCCATTCCCTTCAAGCCCCAGGGAAGGGCCTGGAAGCGCTTACACCTCA
GACCCAGTGTGCGTCAGCCGTCAAGGAGCGAGCGACGTGGGAAACCTGAGATAGGACAT
TGGCCCGGCGCTGGGCTCGGGTAACGATGCGGGGCGGGGAGCGCGGGCGGCCGGGAGGG

CGGCGGCCCTTTAAGAGCAGGCCACGCCCTCCCTCCCTCCCGTTCGCTGCCAGCGGT
CGGTGGCGGCCGCTACGGTGTGACAAGATGGCGGCTGGCGGAGCTGTGCTGCGGCC
CGAGTGCCGGCTTCTCCCTACGCGCTACACAAGTGGAGCTCTTTTCTCCACCTACCT
>EP73114 (+) Hs HSPC117; range -499 to 100.
TAGTATATGTCTGGCCACAATAGATGCACCCACAAGTGTGTGTCAGAATAAATGATAAGC
TGCCATGCTTCATTCTTTGGGATGCTCCTTTCTGACCAAAAAAGTTATTTGGTGTATATC
CAGATTCACTTCTGAAACATAAATGTTTCAGCTATGGTATTTACTCAAACAGGTTTTTCTTT
CTCAGCTGCTGGCGTTATCTTTTCCCTCCAGCTGAGGGTGTAACCTCAAGCCAATG
CACCGAACCTGACCCAGACTCAAGGTGTTTCATAAGCTGCTGAAAAGCATTTCCAAAAC
AAAAGATAACTAGATTATACTTTAACTTCTGGATTTTCGCTTAGCTGTAGTTTAGAGGAA
ATCGACTAATAAAGATCCTAAAGTTATACACTACAGGACAGTACAACCTAACCAGAGGAA
AGACATTGGCCTGAAGAATTTTGAGCCTCGGCGCTTGCCGTTGCTCATCTGCTGCGGCGC
TGGTCGCGCTGCGCTTTGGTTCTTGGAAGGCGGTGCTCTGAGAAGCCGGACTACGCGGC
AGCGGCTCTTCAAAGCGGAGCCGGGAGTTTTTGTACAGTTTTTCGCCACCATGAGTCGCA
>EP73115 (+) Hs FLJ10769; range -499 to 100.
ACAGGAGGAGCGTGGGTGGGAGGCGAGAGGTGAGAATGCCTTCCAGGGGTTGGGCC
TCAGCGTTGGAGTGTAGGAGTGCCTTGACCTGAGACGGTGGAAGCGAAGGGGCGCTCGC
AGCGAGCTGGTTTTGGGGTTCAAGGCGAGAGTTGCGCCTGGAGCAGAAAGGCACCTGACTG
CTATACTGGGGGCACATAGTGGGCTCGGCACTCCACCTGCCAGCAAAATCATTTTCTAT
AACGCCGCAAGCCTAAAAATGGGCGGATAAACACAAACCAGACCTGAACCAGATCGTTG
TTAACTCTTCAACCTGCCTTCCAGCCGAACCTCTTAGGCCAGAGCTGGGACCAGGCCGGG
TTGGGCGTCGCGCTTGTAATCATCTAGAACCGGGTGTGATTGAGCGAGTTGGGATCCCA
CTGCCGACAGCCGCGCGGAGGCGGTGCGGAAACCGGAAACGCTTCCAATGGCTGTGTTT
CCGGCGACGCGCGGGGGCAGCTGGGAATCCGGAATGCTGCCCGATGGCCCTGGGTCTC
GCTGTGGGGCAATCCGGGCTTGACAGACGAGTAAGGTGATTCCATTTGCCCCGGGGATG
>EP73116 (+) Hs TOPK; range -499 to 100.
CCACGGCCCATCCCCTCCTGGGGAGCAGATGTTCTAAATAATCGTTGAATAAATTAAG
AATGTTGAATTGAATGTGGCAATTACATGAGTTAGCAACATTTCTAAATATCTTTTTTTT
CCCTCGGCTAAAGATGATTGTTCTTAAGCTACGCAATTTGTCTTTACAGTGTTCGAAGGC
CTCATAAACCTATAATAAAATTGACGTCATAATCACGACACATTCAACACAGATGTGAGC
GTTTGGAGAGAGCTTCAGCCTCAGCACAGGCAACTGTGTTCTATTACCGGGCTGTGCT
CCTCGGAAGGGCTGGTGGTTCTGTAAAAGTTTGCTCCCCGCGCTTTCTTCTCTTCC
CTCGTCTTTGGCGCTCGCCGCGACCGGGAGTCTGGGAGAGGGAGGAGGAACGGCGAATC
GGCGGGGCGTGTCTTTCACGCCGCCCCGTAGCTCGGGGCGGAAGCTGGCGCAGCGCGCA
CTTTTTGAAAGCCAGGAGGGTTCAATTGCAACGGCAGCTGCCGGGCGTATGTGTTGGTG
CTAGAGGCAGCTGCAGGGTCTCGCTGGGGGCGCTCGGGACCAATTTGAAGAGGTACTT
>EP73117 (+) Hs AKR1C3; range -499 to 100.
TTTTTACAGTTTTAACTTTAATTTTTTATTGAGGACCAACTATTTGAAAAATTCATT
GTCAATTCCTTTAAATTATGTGTATGTGAGAGAAAGACGTAAGATGGTTAATTATTTCAA
TGATGCAGTATAAAGAAGGGGCATTATCACGGCAGAAACGAAAAAAGATATTTGTAGCTG
GAGGTTTTTATAGTCTAACATATGGTTGCTATTTGTTCTACAAATCCTTTGAATAATTT
AATATAGAGATTTAGAATAGAAAATAATACTTTAGATAGAAATTAATGAGTTTATTATAA
CCATATATTATAATAATTTACTTAGGAATTCCTTTGATAAGAAACAAATGAAGTGAATG
CAATTTTCTCCACAGACCATATAAGACTGCCTATGTACCTCCTCTACATGCCATTGGTT
AACCATCAGTCAGTTTGCAGGGGTGGGGGGAGGGGTTTCTGCCCATTTGTTTTGTAATC
TCTGAGGAGAAGCAGCAGCAACATTTGCTAGTCAGACAAGTGACAGGAATGGATTCCA
AACACCAGTGTGTAAGCTAAATGATGGCCACTTCATGCCTGTATTGGGATTTGGCACCT
>EP73118 (+) Hs ADH5; range -499 to 100.
ATTCCTCAAAGCTGTGCTCTCCCTATGACGAGTCCCTTGAGGGGCTGTATCTTACTCCT
TGTGCTCTCAAAGCACACATAATGTGTATTAGGGGAGGAAGCATTGCGCAGTGAGCACAA
AGCTGTTGCAGGTCTCTTACTGGTTCTCAGGCGCTTTCAGTGAAATTCCTGTTCCCTCAC
CGTCCACATCTGTAATTTGCAAGTCTTATCTACGATAACTGCTGTAAAGTTACACGGGGA
AGCCCTTTCCCGACAAAAAACGAGTTCTGCAACAAGTCCGTCGGATTTTAGCAATGAA
ACCGGCGCGCTGCAGCCTCGCCGCGAGTGACCCCTGGAACGCACAACCTAGCGGCACGC
ACCACAGCTCGAGCACCGCCCTCCGGTTGGAGCCATTGCAAGCCCCCCCCACGCCCCGC
CCCCCTCGCTAGGCGCTCGCCACGCCCATGCCTCCGTGCTGCGCGGCCACCCCGGATG
TCAGCCCCCGCGCCGACCAGAATCCGTGAACATGGCGAACGAGGTAGGGCCCGTTGAGC
GGAGGGCCCTGAGTCCAAGGAGGGAGTGATGGCATGGGACTAGGCTGCTATCCTCGGG
>EP73119 (+) Hs TF; range -499 to 100.
CTGAGTCTGTCTTTGACCTTGAGCCAGCTTGTTTCTCCTGCATCCTCCCCAAAAGGGG
CTTTGCCTGTCAATCTGCAGTTCTAGTGTGGGGTCTGGGCGCAGTTCTTTCCCTCTCCA
GCCTCGGAGTCTTCTCTGTGGACTGCGCAGATAGGACTGGTGGCACGGACAGCTCTGC
AGCCCTGGAGTCAGGAGCAGAGCCCCCGGCTCCAGCCCGCGTAGCCGCTCCTGGCAC
CGAGCGAGCCGCGATGACAATGGCTGCATTGTGCTTCATGTCCCTTCCCATCAACATTT
TGTGCTGGACTCCTTCCACTCGCGGGTCTCTCCAGAGCTCAGAAAATGAGGTGATCAGT

GGGACGAGTAAGGAAGGGGGGTTGGGAGAGGGGCGATTGGGCAACCCGGCTGCACAAACA
CGGGAGGTCAAAGATTGCGCCAGCCCCCGGGAATGGAATAAAGGGACGCGGG
GCGCCGAGGGTGCACAGAAGCGAGTCCGACTGTGCTCGCTGCTCAGCGCCGACCCGGA
AGATGAGGCTCGCCGTGGGAGCCCTGCTGGTCTGCGCCGTCCTGGGTGAGTGCGGGCACG
>EP73120 (+) Hs CHIT1; range -499 to 100.

TTATCTATTTTTCTCCATCAATGGATATGCAACTATTACTATCATGAAAAGTAAATTATA
TTTGCAACCCCATTTATCTTCTAGATGGAGAAACAGTTTGAGAGAGGGCAGTGGAGAAGCA
AGAGAGCTGGTCTGGAACCCAGCTGCCTGACTCGTGAGTCATTTCTCTTCTCCAAAGCC
CTATTAAGTCTGGGGCTGCTTATGGTCCTACCAACTACACAAAGAAAGTCAGGGTCATG
CTCATCCATCAGGAGGTTTCAGGGCCACTTCCCGCTTTCTCTGTTTGGCAACACTAAGAG
TCACCCCTCTGATTGTTCCAGAAAAGCAAGAATTGCTAAAGGCCATTGTGTCAAGTTTGCC
CAATTCATGCTGCTTGACATCTTACCCCTCCCCACCCTGCTCCCATCCCCCCCACCCAGT
GCCCCGTATTGCAACACTCTGGCTGGGGTGGGACAGGGTGGCCAGATAAAAGCAGAGCA
GGACCTGGAAAGCTGGTTTGTATGGGCTGCAGCCTGCCGCTGAGCTGCATCATGGTGCGG
TCTGTGGCCTGGGCAGGTGAGCCGTGGGATAGTGGGCTGGGTCTCGGGAGCTGTGGGGAG
>EP73121 (+) Hs ACTG2; range -499 to 100.

TACGGAAGGCATTTCTCTTACGCTTTTCATTGGTCCCAGGCTCGTGCCAGACAAGGCATGA
TTGCACCCATTTTGGGGACAGTGCCTGGGCGTCCCAGGCAGACCCAGGGGCCGCATGCAG
CAGGGCCTGAGGAGGGAGGTGTGGACGGAGGAGGCCGCTGCCATTCTTGGTATGGTTCT
CACTCCAGGAGCACAGCTGCATCTGGTCTCACTCTGGGCAGCTTATAAGGCCTGGTGTGA
GTTTTGTTTATGCAAGTGCAGCATAAAAGGAACAAATCTACCAGCACCGGGGCTGTTGCC
ACTGAGTCCTTTTGCATACATTTTCAAATGATAACTCACTCTACCCACCCCCCTTCCCT
ACCCCCAAGGCGATTTATTGAAAAAACACCTTATATGGTAATATTGTAACACACCGTC
AGCTGGCCTTTTATAGGACCTTTGTTTAAAGAAGATCCGCTCTGGGGTTTTATATTGCTC
TGGTATTTCATGCCAAAGACACACCAGCCCTCAGTCACTGGGAGAAGAACCTCTCATACCC
TCGGTAAGTACTGTACGGCTTTTGCACCTTCTCTTCCGGGGCTGCCTGGCCTCCTGG
>EP73122 (+) Hs ADPRT; range -499 to 100.

GGAGGCTGAGGCGTGAAGATCACTTGTAGCAGGAGTTTGAGACCAGTCTAGCCAACCTGG
CGAGACCCTGTCCCTAAAAAAATTTTTTTTAATTAGCCAGTTGTGGTGAGCGCCTGTA
GTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGTGGGAGGATCGTGGGCTCAGGAGTTCCAGACTGC
AGTGAGCCATGATGGCGGCACTGCACTCCAGCGCGGTGAGACTCAGTCTCAAAAATAAAA
GGGGGAGGGGTTGGGGGTAATTTAGTTGTGAAATCAAGTAAGACTTCTGGGACAGAAC
AATCAAAGGGGTGGCGCGGCTCCTCCAAAGAGCTACTAGCTCAGCCCAAGCCCCGCTC
GGCCCCCAGGGCAGCGGCCCTCAGAGCTCCACCCGGCAGCGCCCGGGAAGTCCGCCCC
CCGGCCGGCAGGGGGCGCGCGCGCGCCGCCCCCGCCCGTGGACGCGGGTTCCGTGGGC
GTTCCCGCGGCCAGGCATCAGCAATCTATCAGGGAACGGCGGTGGCCGGTGCGGCGTGTT
CGGTGGCGGCTCTGGCCGCTCAGGCGCTGCGGCTGGGTGAGCGCACGCGAGGCGGCGAG
>EP73123 (+) Hs CKMT2; range -499 to 100.

TCTTGAACAGAAACCTGACTGTAATTGTCCCTGGATCCAGGTCCCAGACAAAGACGCTGG
AAGGAGGTCCCTCCAGCCCCTGCTCAGGGCCCGGTGAGTCTGAGGACAGGCAGCTTG
AGACATCCTCCTCTCCGACCTTGGCTTGAGGGGTTATCCTCCAGAGCTCACCAGGGCCC
CAAGGCTGGTACACCTGAGAGAAGAGAGAAACAAATCCCCAACAGATGTGCAATTTAC
CTGCTGGCCCTTCCATTCTGAGATCCAGAGCCCTGGCAAAGGAGCCTCCAGGACCAGGCC
TGGAAGCAAGACTGGCTCCGCTTTTACGTTTTCAGAGAAAGGGCAGGTGCTATAAAGGG
CCCAGCGCCACGGGCTGCTTCAAGGGTACAGCTGTGGGGGCGGTGCGCCCGGAGGT
CTACGCTGGGATTGGTGAGGTCTCTGGCCCCGCCCCGCGAGGAGATTTCAGGCCGG
CCCGACAGCTCGCCCTGCATACACTTCTTGGCTGTGTGCGCTCAGCAGGACGTGGGAGG
CTCCGGCTTCAAGGTGGTGAGTCCGTGAACTCTGCTTTATTCCTCCAAAGAGGGGTCA
>EP73124 (+) Hs ENSA; range -499 to 100.

AACCTCAGGTGATCCGCCCCACCTCGGCTCCCAAAGTGCTAGGATTACAGGCGTGAGGCA
CCGCGCCCGGCTGTAGTACTACTTTAAATCGAATCTGACCTCCAAATCATTTTCTGG
AGCTCGATCATTTTCTGCTAACACCGCAAAGCTTAATCCTCTCCACCTGAGAATAAAAGG
TTCCATCCTTCCGCTCTCCAGTTTGACGCCCTGCTAAGTCTCTCGACGCGGTGGGCTGG
AGTGAAGGAAGCCGAGGCCACCAAAGTGCAAAAGTACCACAGCCAGCAGCCCCGCCCC
CGATATCCCCACAGGCTTCAAATTGGTCTTGTGGCTCACTCTCTTCCAGGTTGGTGT
TCCAGCTTGGCGGTGCGCTCTATAGAGCCACCTTTAGACGGCGACTATTGGTAGATCGT
TACGTCAATTGCCCTATCTACCTCACTCCCACTGGCTCTCATAGGAAGGGGCGGTGCGAAC
GTCACGGGAAGGGCCGCCATTTTACTGAGCAACCCCTAGTGACAGGAGCCGAAGCAGCA
GCGCAGGTTGTCCCGTTTCCCTCCCCCTTCCCTTCTCCGGTTGCCTTCCCGGGCCCCT
>EP73125 (+) Hs T1A; range -499 to 100.

GACCAGCGGGGCCGCTCTGGCCACCCAGATGACGGCCAACCTTTTTTTGTTTTTAAGC
CATCAAATTCATATTTACAGGAAAAACCCCATGCTTGGTTCTAAACTACTGGCCACTC
AAGAAACAGTTTACTTCTCACTTCTGCCATAACAAGAAAAACATAGACTTGTGCCTTAC
TCTTAAAAAAATAATAATAATAATATAGGTTTTTTAAAAATTTATATATAATTTTTAAAA
CCCCGTTTGTGCATGTGGTCCCTTTCCCTCCTGTTGTTGAGCAGAATAAAAGCCCATT

TGCCAGGGCCCCGAGTCCTGGCGGCCCGCCGAGCTGCGGCCCTGTAACCTTTAAACCTGGC
CTGAGATCATCGTTTTTGGCGCCGGCCAAACAGAGCCCGAGGGCGGGCCTAGCGCGCCCGG
ACGGAGACCACCTTGCGGCCGACCCCGCTCCCCCGCTCCTCGGGAGAGATAAATGCTGA
CTCCGCTCGGAAAGTTCTCAACTGCAAAGTTTGCTGTCCGGCTGCCTAGGGTCTGGGAAG
CTCGGGCACCTCCCTCTCCGGGGCTCCTGCTCCACCCCTCCGGCCCCCCCCACCGTCGC
>EP73126 (+) Hs GL01; range -499 to 100.

CAACAAATCCTGTTAGGAAGCTCAGAGAGGGTCAGTAATTATTGCAAGTTTCTAGCGCTA
ATATATAGCGGAACCAAGACTTGAACATAGGTTTTGACTCAACAATTGTTTTAATTACT
CTGCGCTGCGTAAACTGAGAAACCTCTGAATCCTTACAATTTTAAAAGAACAACCTACAG
TTTTCAAGTTTCCATCAGATTTCAATTTTCTACCAATTGCAGCCCTGAGGTATGAATGGT
TACCAAACTTTAGTTAAACAAACAAATAGCTCATTAAAGTAACAGAGAAACCACTCTGC
CCAGCCTGCATTTTTTTTTTTTTTTTTGTATGAGTTTGCTCCTTTATGCGCAAGGCTCC
TTGGGAGTTGTAGTCTGAGGCATAGTCCTGTGGGTGGAGGCGCTGACTCACTGGGACCCA
ATCAGCAGAGAGTCAACTTGCTCTCCGCGCAGCGATTGGCTGGAAGTCAGCGGTCTCCCG
CCCGCGGCGCCATCGCGCCATTCTAGTTAAGGCGGCACAGGGCCGAGGCGTAGTGTGGG
TGACTCCTCCGTTCTTGGGTCCCGTCTGTGATACTGCAGCGCAGCCATGGCAGAAC
>EP73127 (+) Hs EFEMP2; range -499 to 100.

GACGGTCTGGGGCAGAGAATAAAATTTTGACGGGAGCAGATTGAGGGTCTGGAGGACTGG
GTTAGGTGGGCTCTAGGTACCCAGGACGATCTCGGGAGGCGCACAATGAGAATCTGGGGG
CTCCAGGATTACGGTGTGGGTGCACAGGATGAAATTCTGGGGGCGCAGATTAGGTAGGAC
CTAGGTGAGCAGGATGACATTTTTGGTGAGCGTCTGGGGGCCCCGGGTGAGTCTGGGGG
CCTGGCATCAAGGTCGGGGCCCCAGGATCGAGCACTGGGGGACCCTGGTCCGGCGCCGGG
AGGCGGCTCCTGGCGGCGCCGCGGGGACCGGGTAGGGGCTGTGGCTGGCCGGGGGCGG
AGAAGCGGGGGTCTGGGGTCCCTCCCCCTGGCGCTGGCTCAGGAATCCGCCGAAGGGCGG
GCGGAGGCGCCGGGTGGGCCGCGCCGCGGAGGCGGGCGGGCGGGGGCGCTTCTGGG
GCCGCGCGTCCAGGGAGCTGTGCCGTCCGCCCGTCCGTCTGCCCGCAGGCAATTGCCCGAG
CCAGCCGAGCCGCCAGAGCCGCGGGCCGCGGGGTGTGCGGGGCCAAGTGAGTGGCTGT
>EP73128 (+) Hs ADAM15; range -499 to 100.

CTGCCTACGCGGGGTGAAGAGGCGTCTGCTGCTCTTCCGCACCGTCCTTCCCGTTAA
TAAATGCCCTGTACGCTTACAGTGGGTGCGGGACTGGGGTGAGCCGCGCACTGCCTCGC
CTGCAGTCGGGAAAGCCTGCCCGCCGACCTCTCCGAGCCAGGCCGCGCACAGGAGGCAG
GGAGGCCGCGAAGCTACTAGGGAGGGGTCCGGACCTGGCGCCGGGTGAAGGCGCGCCGCC
CAAGCCGGTCGGACCGGGCACCAGCTCCCACTCCGACAGTTGCGGGGAAGCGGTAGCGC
TGAGCAGCGCGGGCGTAGTGGCGGTGTCCCGCTCCCGAGGCACCCGCGCGCAGCGGG
GCGGGCTTTGCCGGGGGCGGAGCTTGCTTGGGTCGGGTGGGAGGGGCGGGCCGGGGC
GGGGCCTGTTGGCCGCGCGGCGCTGCTGGGTTCTCCGAGGCGACCTGGCCGCCGGCGCT
CCTCCGCGCGTGTTCGCACTTGCTGCCCTCGCCGGCCCGGAGCGCCGCTGCCATGCG
GCTGGCGCTGCTCTGGGCCCTGGGGCTCCTGGGCGGGGAGCCCTCTGCCTTCTGGCC
>EP73129 (+) Hs ECH1; range -499 to 100.

ACTGCAAGTTTTCTTTATTTTTAGTTAACATGATATATACATGCATGATTACAAGCTCT
GCTGCAATTATGTCCTTGACATTTTCACTGTCGCTATTATTCCACCATTATGAAACAG
CTGTGTGATGAACCTTAGCGGGAGCTGTTTGCTTTTCTGTTTTTTTTTTGTTTGTGT
TTTGTTTTTTTAAGACGGAGTGTGCTCGGTGCGCAGGCTGGAGAGCAATGGCGCGATC
TCGGCTCACTGCAAACTCCGCTCCAGGTTACGCCATTGCAGGAGCTATTTTCTTTGG
CCAGGTTCCCACTGGGGCAAAGGGTCCATTTCTGAGCCTGGCTCTATGTAAGGCAACCGG
AAATCGACTGCCCTTAGTAAAGATGGCGGAAAGAACGGCGTCATTGCCTGTCAAGTTGCG
GCATCGGTGCCCTCGCTCAACATGGCGGCTTCTGTGCCCGCCCCCTCCGCTAACGGGCA
CGTTACTCCGTCCGAACGCAGTAGACGAAGGCGGCGGCGATGGCGGCGGGGATAGTGGCT
TCTCGCAGACTCCGCGACCTACTGACCCGGCGTGAGTCACCTTTGCCCTATGGGGGTGC
>EP73130 (+) Hs CRACC; range -499 to 100.

GATGAAAAGACAGGCTACAGACCAAGAGAAAATATTTGTAAACCATATCTGACAAATG
ACTCTTATACTTGGAACATATAAGGAATTGTCAAAGCTCAACAGTAAAAAAAATAAGAA
TCTGATTATAAAATGGACAAAAGACATAAATAGACATTTACCAAGGAGGATATGGATAT
ATAGATGGCAAATAAGCACATGAAAAGATGTTCAACATTATTAGGCTTTAGGGAAATGCA
AATTAAGCCACAATGAGGTATCACTACAGCACCTATTAACACAGCTAAAATATAAAATG
GGAATATACCAAATGCTGATGAAGATGGGGAGCAAATAGATCTCTCATAGATTGCTGGTG
GCAAGGTAAAATGCTCTATTCACTCTGAAAATAATTTAGCAATTACTCAATCTCACATGT
CTGCGGCGTGACCCCTCCTGCTTCTTTAAATATCAGCTGGGGAAGAGGTCTGAGTAATAC
CTAAGAGGGAAGTGGCTTCATTTCACTGGCTGACTTCCAGAGAGCAATATGGCTGGTTCC
CCAACATGCCTCACCTCATCTATATCCTTTGGCAGCTCACAGGTGAGTCCGGCCGGATT
>EP73131 (+) Hs TFG; range -499 to 100.

CAATAATGAATGAATGGATTTATAGAAGAAAAGGTTTTTTCTTTTTCAGCTGTTACTACA
ATGGTCAACAATAACGACAAAAACCACTTAAAGTTGGACAGACGTCTACTGCAACCAACT
CTCAAAAAGTTTAGAACAGCGCACTACGCCCGCCCATTTGGCGAGAAACGGAAATACCGG
CTTTCGAGAAAACCGGAAGTGCCTGGTCACGCCCCGCGCATGCGTGCATCGGGGCGAGCTC

ACGCTTCCTAAATCCCGTCATCCAGTGAGAAAGCAGGGACTCTTCGGCCTAGGCAGCCGG
GACCCAGCCAGCCCTGCGCCTCGCGCCGTGCGCATGCGTCCTGGGTATGTCCACGCGCA
ATAAGGAGGGGCGAAAGGACATTTTTTTTTTTCTTGCTCCCGCCTCTGTTCTTCCCCAC
CTGCCACGTACAGAGCCCAAGTTCTCGCTAGGCTTGTGGGTGAGCGGATTGGCCGGGG
CCCGCGCGAGCCTGCGAGCGAGGTGCGGCGGTGCGAAGGGCAACCGAGGGGGCCGTGAC
CACCGCTCCCCGCGACGCCCAAGTCCAGTGGCCTCGCGTCCGCCCATTCAGCGGAGACC
>EP73132 (+) Hs IL10RB; range -499 to 100.

GACACTGGACAGCTCCGGATCTTCCCGTCTAACCCTAATCAAGTTAAAAAGAGGAAATT
AACGCTTTCTTAGTAGTCTCTGAAAGAACTAGTTATTTGCGTAAAGATGACTTGTTTTT
GTGTTGTTTATCCCTGGGGAGAAAGGTAAGAAGACCCTCAAAGTGGATTGCTGCTGAA
GTGCTTTTAACTCACCTGTGCGGAGAGCGGACTTCAAGAGAGGGCGTGCCGGTGCTCCGG
ACAAAACCTGGGGAATACTGAAAGCCACCACCACCACCGTCATTCCAGCATGCAGATCTC
AGTCTGGGTTGGTGTTGTAGGGCATTATTTATTTGACTTGACGGCGCCTTTCAAAGCT
TGCGAGGATCCCTTCTCTTCTCGTGTGCATCTGCCAAGCCTGTGCCCCGCGCCTCGCG
GGTGGAACCGGGCTGGTGGGCGGGGCTGCAGCGGGTGGGAGCCCGTGCCTGGGGGGGG
TCCCCACCCCGCCCCGCCATCTCCGCTGGTTCGGAAGCCGCGCGGACAAGCTCTCC
CGGGCGCGGGCGGGGTGCTGCTTGGAGGAAGCCGCGGAACCCAGCGTCCGTCCAT
>EP73133 (+) Hs RPS6; range -499 to 100.

CCCCCACCACGCTGGCTATTTTACCTATTTTGGCTATTTTACCTATTTTATTAGAG
ACGGAGTTTCGCCATGTTGGCCAGGCTGGTCTGAACTCCTGACCTAAGATGATCCGCCC
GCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCCCGGCTTGCCT
CCTATTTTGGTACCGTCAGATGCAAAGTGCTGGGACAGAAGTGGGGTCCGCTGGCGCC
CAGCTCCAAAACCCAGGCAGCGTGGAAAAGACTAGACAGGGAAGGGGTAGCCCTCAGAA
TTACACGCGGGTTTGCCTTACCAGACTACCACCCTGGCACAACCTCAGACCCACACCCA
ACCGACTTTACCTCCCAGGCCCTGATTAATCTCGCCGGAAGTACCGCCACCCATGCTC
ACTTCCGCTATCCCGTACTTCTGCTCATCTCGCGAGAAGTGAAGCGCCTATGTGACCTG
CGCTAAGCGGAAGTTGGCCCTCTTTCCGTGGCGCCTCGGAGGCGTTAGCTGCTTCAAG
ATGAAGGTAGGTGATGGTGGCGAGTGTTAGACTGGGTTTGGGGAACGTGAATCGAGTCCC
>EP73134 (+) Hs FABP5; range -499 to 100.

AGGGTGTGGATTGTGAGCTTGTGCGTGGCGAGGAGCAGAAGGTGAGGGAGGCACCGTAG
TTAATGAATCAATAAACCAACAGCCGATCAATCACTTCCTGCAGTCCGAGTCCGGCGAG
GGCTAATCGATTGGTCCGGGTATTTTGAAGGAAAAACGGCGGTGGATATGTTGTCAAAC
GGAGGGGTGCAGGAGAGGCGGGGCCAGGCTCCAGGTGACCCCTCTGGCTTCTGGGCTT
GCAGAGGCGCGGAAACGTGCAGGCGCCGCGTCCATGAGGCGTGGGGCGCGCCGGGCGAG
TCCTGCTTGCAGGAGGCGCCCGAGAGGCGTGCCTACCTGGCAAGAGGAGCTGGTTA
GCACCTCCCGACCCGAGAAGGCCAGGGGCGCCGCGGGCGGGGCGGGGACCGGGCG
AGGCGCGCTCCCATTTGGCCGCATAGCGCCGCCAGCGCGGGCGCCGTTATAAAGCAGC
CGCCGGCGCGGGTGCCTCACAGCAGCTGCCACGCCGACGACACCCCTCTCTGCACGC
CAGCCCGCCGACCCACCATGGCCACAGTTCAGCAGCTGGAAGGAAGATGGCGCCTGGT
>EP73135 (+) Hs CDW52; range -499 to 100.

CCATCTACAACCTTCCCTTGAACATAAATCTATCCAGCCCTTCTCCTTCAGCTCCTAT
ACCTTGCCCCAATCTTCTTTAAACAACAACTCATTTACGGAATATCTGCTATGTTCTGG
CTCTTTTTAAATTGGTTATTATTACATGTAATCCGGCAGTTCTTTTGTAAAGGGTCAGA
GAGGTAGAGTTTCTGGCCAGGGTCTCAGAGCTGGTCAGTGATTAAACCAGGATTACGCC
TGCAAGGATGCATGATTCCAGGCTTGGGCCCTACTTACTCCACCGTTGCCTCTGGATTG
ACCTCTCTCCTATCTTGTACGATCTAGCCTGCTCCCCAGCCAGGGCCTTAGAACCTAGA
GCCTGGTATTATCCACCCCGAGATCTGCAGAAAGGAAGCCACACCCCTCCTCCACCTTG
AAGCCCTCCTTCTCTCCTACCTACCCCGCCTCCTCTGCCTCCTGGTTCAAAAGCAGC
TAAACCAAAAGAAGCCTCCAGACAGCCCTGAGATCACCTAAAAAGCTGCTACCAAGACAG
CCACGAAGATCCTACCAAAATGAAGCGCTTCTCTTCTCCTACTCACCATCAGCCTCCT
>EP73136 (+) Hs SLC26A3; range -499 to 100.

AGAAATTGGAATGCAGATATGGCCTGTGGCTGGGAGTTGGGTGAGTGTTCCTAATGAGGG
CCTTTATCATACCAGGAGTTAACCTATACACCACACTTCTGCAGCCCATGACAGATTCCA
TGGAGTCATCCAGCCAAAAAACACCACCTAACTCTCATCTAAACAGGTTGGTGAAT
GTCAAGGAGATAACCCTTGAGAAGATTCTTTTTTTTTTAAGTACACGTGAGCATCTGCT
GTGCAATCTCTGCAACCAATGAAATTACGTACACACAAGTGATTAAACCACCCACTGG
TGGTTTAATCTCACAAGGAACCTGAGGAAGCAATCTTCATCATCACTTCTGCTGATCAA
GTCTCAAAGGTCAAGACCACATTGCAGTCTTTTCATTGTTGTAAGTTAATGAGAGTTA
ATTATTAAAGCTGACAGAAAGGTAATTTGTCCACTGTCTTACATAGCCTATATATAGACA
TCCCTATGCATATGGATGCACACAGAGCCTGTAGACCTGAGTGGATGGACACTGCCTCTT
AGAAGTAGAAGTTAGAACTTTATCTTGAAGATGTACCACTGTTGCAGAAAGCTCCTCACAG
>EP73137 (+) Hs DGCR2; range -499 to 100.

TTAAAAAGACCCCTTTGGGGCGCACTTTTGGGCTGCTCACGGGACCTGAGCTTGAGGTG
TGAAGACCCCTTGAGTCCCAGCCAGGTTCCCACTTCTTCTCTCCGCTCCCCACCCGCGC
GACCCCTCGGCGCCCCGCCCATGCCCGCGCCTTTCGATGTCCATCCTTGCCGTCCCGC

GCCCCGCGTCCCTAACCGCGTCCAGAGACCTACTCCCTTCGGTGGCCCCGCGCTCAG
GCCCCGGCCCCGGCCTGCTCTCTGCTTAACCAATGGCACGCCTACTCCGTATGGTCC
CGCCCTTCCCTTAGAGCCCGCCCTCAGTCCCCGCCCTTAGGTCCCCGCCCTCCGCCGTC
GCGACCTTAGGCCTCACCTCTTCGAGGGCTTTGGCTCTGGCCCCGCCCCCATCTTGA
CGGTCAATTGGCCCGCGCTGCGTGGGGCGGGAGGCGGGGCGGGCGGCGGGCGGGA
GCCGAGCAGGACGGCCGCCATCTTGCAGCAGCTGGAGTCGGTGCCTGAGGTTGCAGCCG
AGAGTGTGCCAGCCCGCGGCCAGCCGAAGCTCTTCCCGCCGCTCTCCGCGCCTCG
>EP73138 (+) Hs B3GAT3; range -499 to 100.

ATTATAGTGAGGATTCCAGGAGAGACACCCAGAGGATCATGTGGTGGGCTTAGATTTC
TTCGTGTAATAAGTATTGAGCAACAGCTATTGGGTGGCTGACTGACTGGATGGATGAAT
AAGGTGAAGATCTGGGCGCCAGGACTGGCTTCTCAGGCAATTCCGTGATGAGGGGGCGG
GTCTCGAGGTAGGTACCACGTGCACCTACTCGAGATTCTGCACCTACCCGGGTTTTGAC
TGCCGGCCACGCGAGTTTGGCACGCCGATGTGACGTACCAACCCGGTGGTTCGCGAAC
CTGGCGGTGGGACCGGAAATCAAGTCTACAAGGCGGGGGGTGCACAGATGACCGGAAGC
GTGCCCTGGCGGCGCTGCCAGCCCCAGCTGGGAGCTGGTAGGGAGTGCGAGGAAGCGG
GACGACGGGCGGAGCCGCTGCAGGGGCGGGCCTGCGGACAGGAGCCGGGTTTGGGGCG
GGAACCCCTCGTCCCCTGCAGACCCCGCTGCTCGGGCGGGCGGGCGGCGGCCATGA
AGCTGAAGCTGAAGAACGTGTTTCTCGCCTACTTCTGCTGATCGCCGGCCTCCTCT
>EP73139 (+) Hs CAPN1; range -499 to 100.

CCGGAATGCCGCCAGGGCGCGCTGGGGTGGCGCCGTCCGGCCCTGCAACTCGAGCTGC
TGCCCCCTGGTTAAAAATACCCCTGCCCGCCCTCCCCCTCCGTTCCCCGCGGTGCCCTT
CCGCCGCGCCCCAGCCCCCATCCCCCGCGCTGGCCCTCCCCGGGACTGCTCTG
CCTTTTACTAATTTGTCTCTCGCGAATTGGCCCCGGCTGCGGAGGGAGGGGCGGGG
AGACACCGTGAGTAAGAGATAGTCAGAGACCGTGCCGGAGAGATAAGGGAGAGCCGAGAG
GAAGCGGGGTAGGAGCCCCAGGAGGAGGAGGAGGAGAAGGAGAGAGGGAGGGCGGAGGGC
GGAGGGGCGGCGGGAGGAGGGCGGGGAGGAGCGCTCTTCTGTTGGGCCCTGCCCTGAG
CTGCCACCGGAAGCCAGCCTCAGGGACTGCAGCGACCCCCAAACACCCCTCCCCAGGT
AAGAAGCTGGGTAGCCGAGCCGGGATTCCTTGACCCTGGCCACTGCTCCTGGGCTGAGGG
GCTGCCCCAGCACGGTCCCTTCTCGGGGCTCTGCGTTCTGGAGCAGGGGTGGGGCT
>EP73140 (+) Hs PFDN5; range -499 to 100.

GATTTTTTTTTTTTCTGCTTTTGGCCTCAGAGGCCATCTGGGAAAAAGAGTTTAGAA
TTTCCCTGCCATTTCCATGCCGTGCTGGGAGGAACATTTGAAATCGGGCTGGCGGGTA
CCAGCAGCAGCAATAGCAAGCCGGGTGGAGAGGAGCAGGGCCAGGCCCCGAGCCGTCG
CCATGGCAATCCAGCTGCTTTCCAGTAGCTTATACCACCCACGTGGAGTAGCATACACT
ACTTTGTAATATCGTGGTTGTGCTGAGAACTTTAAGATTTTGCAGTTCCTTGAGGCA
GGAGTCTGTTTGTGCTACTTTACAATACTAGGCTTAAGACATTTTATGAAATGAACTC
ACACAACAGTCTCTGAGAGGCTCAAGCCCCCTCTTCCCTTCCGGGACGGAGGATCATAGA
GCTGTCTGGCGCAGCGAGGCTCCCGGCCACCGAGACGCGCAGAGGACGGCTAGAGCG
TTGCTCGCCGAGAGACTTCTCTTCTGTTAAGTCGGCTTCCCAACATGGCGCAGTCTATT
AACATCACGGAGCTGAATCTGCCGAGCTAGAAATGCTCAAGAACCAGCTGGACCAGGTG
>EP73141 (+) Hs MRPL44; range -499 to 100.

TAATTTTGGATAAGCCAACATTTCTGAGTCTAGGGTTTCCAAAATAAGGCTTTTGGAGG
CGTGCTGGGTCAAAAATAGAAGCTCGGTAAATACTTGCTCAGTAGTGGCTAGAACACTA
AATATAAATTAATAATGTTTTCTTTTTTGGAGATTTAATGTTTCCTTAACCTGAAAGC
GAAACAGATTTTGTGTTTGTGCTGTAACGAGAGAGGAAGGAACAAGAGAGTGACAGGG
TGAAGCAACTTCTCCAGAACTTTTGGGCGCAAACGCCCTCAAGTCCGGATCATTGGAA
AGTAACTCGAAGAGAGGAGAGAACTAGCGCAAGCGTAGCCTCAAGGCGGCCGAATCACC
CCGCCCCGGGGCTGTCTCCGCCCTGCCCTCTCTCAGTCGCCCCGCCCCGGGGCTGTCT
CCGCCCCAGCCTTCTCTCGCTTCCGCTTCCGCTTCCGGGTTCCGGGGGAAGTGTTACGGGG
ACACTGGCCCGACTACTTTCTGCTTCCGCTTCCATCGTTTTCTCTCGTGAATGGCGTCCG
GGTGGTAAGATTGCTGCAGCAGGGACATCGCTGCCTCCTGGCTCCAGTCGCCCCCAAGC
>EP73142 (+) Hs TAGLN2; range -499 to 100.

CTAGGGCCCTGGGCAGAGTGACCTACTGTTAGTCCCTGCCAGGCTTGAAGTAAGAGGT
GAGCAAGATCACGTGGGGGTGCTGTCCCGGCTGCAAGTCCAGTCTGTACACACTAG
TCAGTTGGGGTGGGGGAAGGCTTCTGTGCTCCTTTTACCTTGCCAGCCTCTAACT
AGGAGGCTTCTCTACATAAACACGCCACAGTGTTTAGCTAACTTTCTAGGCAGAAAG
TTTCTACTGGGACACAAGTCTACGGGCTCTCGGTGGAGGCTGAGGTAACACGGGTGGA
GACCACTGCAGCCGCTTTGTAGATTGAGTCTCCCGAACCTTTAACCCTTGCTCTGGTC
TACTGTCCCTCTGTCTCAAGCAGTCTCCCTCCTTCTGCGCTGCGGCGCCTTTAAACCTT
CTTGGCCCTTGCCCCGCCCGGGTCCGCCCGTCTGAGGCGGGACCTCCTGAAAATCCC
CGGCTGGGACAGGGCGACCACTTGACAGTGCAGCCCTTGCTTGAGTCACTGCGCGCTC
TCCAGCCGCTTGAACGGTGAGCAGGTGGGGGTACGGGGGTGGGGACATGTGCGTGCT
>EP73143 (+) Hs NQO1; range -499 to 100.

CATGTCTCCCCAGGACTCTCAGCCTTCCAAATCCGAGTCACAGTCACTCAGCAGAATCT
GAGCCTAGGGCACACAGTAATCCGATCCGGCTCTTTTCTGCTCCATTTCTGTCCTAAG

GCTAAAGGGCATGCCACTTGATCCCTGGACTCTCTTGGGACGACTTCCACCCTGCATC
CTCTTGACCTCAGGGCACAGTGCAGATGGGCTTGCCCTTAGCACCCCCAGCCAGATTT
TTGAGGCCTCTGTACACACACCCCTACAATCCCCTCCCCAGCCCCGAGAGACTTTTCT
TGACTTCCACCAAGTTGCTCCGGCGGGTGAGAGTGGAGAGGCCCTCCTTCATCCCCCAGG
CTCCCTCCCTTCTGGAGCTGCAGCCTCAGCATCTCCGCCAGCACCCCAGGATTCAGG
CGTTGGGTCCCGCCCTTGTAGGCTGTCCACCTCAAACGGGCCGGACAGGATATATAAGAG
AGAATGCACCGTGCACACACGCGACTCCACAAGGTTGCAGCCGGAGCCGCCAGCT
CACCGAGAGCCTAGTTCCGGCCAGGGTCGCCCCGGCAACCAGAGCCAGCCAATCAGCG
>EP73144 (+) Hs CDC5L; range -499 to 100.

AGATACTGTGCTGGGTCTATGATCTCATTTAGCCCTTACGACAATCCTGTGAGGTTGGCA
TACTATGATCTCTATTTTACAGGTTAGGAACTGAGCCTTAAATAAACTACTGGATTTT
CCTGAGTATTCTGTGAATAAATTCCTATTACTGAAATACTTGAAAGGGCTAGATTAATAA
ATTAACAAAGCCTTCTTCGGAGCAACTGTGCTGAAATTCCTGACGCTGACGTTCCACC
CTCTGCCACTCGGTGACGTACGATCAATCCCACCACTAAGTTCCAGCCAAGCGCTACC
GCCGCTATCTCGCAGAGCCGTAGTTTCTTCCATTCTGTTTGGACATGCGCGGGGCGTA
AGGCGCTTTGGCCAGAGTGTTTGTATGGTTTGTGTTAGTCTTCTGCAGCTGAGCTTCC
ACAAGACACTTTTTCCCTTTAGCCACCCCAATATCTCGCAGACTTGCTATTCTGCGCCC
CTCCACCTTGCCTTTCGCGAGACTTCAAAGCAGAAGGTCGCGCTTGAGGAAGTGGC
GGCTTTGAGTCCGGTGGCCCAATCGCTGTTACTACTTCTCTGAAGCTCCTCTCGGCTGCT
>EP73145 (+) Hs ST13; range -499 to 100.

GGGGAACGCAACCGCTGCAGGGCCGCTCGCCAGGAAACCGGGCCAGCCGACCTCCCC
TTCCGGCGGAGGCGGCTCGCGGGCTTCTTGCAGCGCGCGCAGGTTGTGACGTCATGC
CCCAGCTGGGACCGACCTCCGGCTCCACGCCCTTTTTTTTTTTTTTTTGGTCCCG
GGCGTTGAGCTCTACTCAGTGACGCGAGCCACACAATATGCTCTTGAGCTCGCCCCCTG
GAGGGGATGTTATCTCCGCCCTCCTTGAAGTCGCCCATTCTGGGGTTGCCCCATCCAGG
GAGCTGGTTCCTAGTTAAGAAATATGAGAATGTATGCGCAGGGAGGCAGGCAACAGCACGA
ACAGCCACGCTTCTAGAAGATTCTAGGGAGCGCGCAGGAGCAGCGCAGAGGGAGTAGGAA
TGAGCAGGCGGAGGACCCGAGGTCACGAGACCGTTGGGTGGGAGGAGCCAGCGGCCGGGG
AGGTTCTAGTCTGTTCTGTCTTGCAGGACCGCCCCCTTCTGCGCGGTACGCGGAGCCA
GCGCTGGGCTGGAACCGGGCCGTAGCCCCCAGTTTCGCCCACCCTCCCTACCAT
>EP73146 (+) Hs ATP5J; range -499 to 100.

CTCCCGCTCCAGGCACCTTCGGTCCAGGACTACAACCTCCCGCAGGGTGCGCAAAAC
GACCGCCCAAGGCAACGAGGCTCAGAGGTACAAGGAAGCACAACGCCCAATCCGCTT
TGTTTTACACAGTCTCACTTTCCCTGCACCTTTATACACTTCGATAACCCTAACGAACAG
GACGCTGACTCGGAGGGGAGCTTGAAGTGGGGAAAGGCCACTCAAAGAGCGCATGCGTA
CAGAGCAAGTTTCAAGGAGGGGAAAAAGAACGGGTCAAATTAGGCGAAGAAAAGATGGC
GGAGGCTGTGCCAGGGGACCCGGAAGCACTTACCCTCCACTTCTCCTCTGTTTGGCTT
CTGTCTACCTAGACCCGTCGGTGCAGACTGTCTCCGAGACGCTTCTGTCCGGTGAG
CGTCGACCGACTGAAACGGCGGCCATAATGCATTGCGATGGCGGGTAGGCGTGTGGGGG
CGGAGCCAGGGCCGGAAGTAGAGCGGAGGTGGTGGCGCGGAGGCTTTGGCAGCTCGGGA
CTGAGTGCAAGGTGACTGGGAGGGTAGCTAGATCAGCGTGGCCTTTTGGGACTCCAGTTC
>EP73147 (+) Hs MASP1; range -499 to 100.

TAGAATTGCCTTCTTAGTTGGTTGTTTCTATTTAATTGCTTTTCTTTCATGGGTGTCCTG
AAGAAAAGCAGAAAATTATAGTCATCTGGCAAAAAGACTAAAGAGAAATTAGACTTTGT
CCCCTTCTACTCTCTCTCTCTCTCTACACACACACACACACACACACACACACA
CACAGAGTGATACAAATACCTGCTTGAGCCCTCAGTTATTTTCTCTCAAGGGCTGAAGT
CAGCCACACAGGATAAAGGAGGGAAGGGAAGGAGCAGATCTTTTCGGTAGGAAGACAGAT
TTTGTGTGTCAGTTCTTGGGAGTGCAAGAGCAAGTCAAAGGAGAGAGAGAGGAGAGAGGA
AAAGCCAGAGGGAGAGAGGGGGAGAGGGGATCTGTTGCAGGCAGGGGAAGCGTGACCTG
AATGGAGAATGCCAGCCAATTCAGAGACACACAGGGACCTCAGAACAAGATAAGGCAT
CACGGACACCACACCGGGCACGAGCTCACAGGCAAGTCAAGCTGGGAGGACCAAGGCCGG
GCAGCCGGGAGCACCAAGGCAGGAAAATGAGGTACGTGCCAGGGGAGGAGAGGGCACGG
>EP73148 (+) Hs IND0; range -499 to 100.

TATGTTTCTAATTTTTCTAGTGCTTCTATTTTTTCTACTTCAGAGCCATTGACTAATA
GTTGAGTATAACACAGGTTGTGTTTCCGGGCTGCTGAAACATGACACTAATATTTTCAAA
GAACTGTGGAAGCCTAAAAGGAAGCCAATGAGAAATAACTAAATGAGAGTTTAGGACTGC
AGCCTTCATTTTCAATCAAAGATTTAAAGTTTCCATAAAGTAAATGTTCTTCTCCGGC
CACCTGTTTTCATAGTTCTGTGTTTTCTTCAAGCCTTTCTGGCTTCTATATGGCAGTA
AGAAAATGATGTGCTTAATGATTACAAATTTTCATATGGAATACGAACCTTTCAGTTTGTAC
ATATGATGCACAGAGATGCTTTTGTGGTTTATTGGTTTTCATATTACAAACAAAGAAAC
TAGAAAATGAAACATTCCAAAAGTGGAAGTAATTTCTCACTGCCCCGTGATAAACTGT
GGTCACTGGCTGTGGCAGCAACTATTATAAGATGCTCTGAAAACCTTTCAGACACTGAGG
GGCACCAGAGGAGCAGACTACAAGAATGGCACACGCTATGGAAAACCTCTGGACAATCAG
>EP73149 (+) Hs RAB1A; range -499 to 100.

CCCCCGCACCCCGCAGTCCCTCCGGTTTGACCACTCCCCCGGTCCCTTGCTCCCCC

GACCCCCAGCCTCCGTCGGCCGCCGGCACCACCTCCGCCCTCTCCGCCCTCCCCCG
TGGGGCGCTGACTCGCCCGCTGCCACGTCTACTGATGACATCACTAGGGCAGCTCGGC
CTTAGCCAATCCGCCAGGGGGAGTCCGAGCGAAGTCTTAGCCAGCGAGTCAGAGGGGAGG
GGAGCAGGGAGGGGCGAGGGTGGGGAGGTGAGGGAGTGGGGAATGGGGCGGGCGACAAC
CCTTCAGGTACGCATGCCCCAGAGGCGCGCGCTTGGCGGGAAGCTGAGTCCTGGCCTTG
CGTCGCACTGTCTGTCTCAGCTCGCGTAGCCGCGCTCGCGACTCCCTTTCCCGCATGC
CAGGCGGTGCGGCCGCCCTCTGGGCCGTGTAAGGCCCTCGGTCTAAGGCTTCCCTATT
TCCTGGTTCCGCCGGCGGCCATTTTGGTGGAAGCGATAGCTGAGTGGCGGCGGCTGTGA
TTGTGTTCTAGGGGACGGAGTAGGGGAAGACGTTTGCTCTCCCGGAACAGCCTATCTCAT
>EP73150 (+) Hs COX7A2L; range -499 to 100.

AAGCAAGAGACGCTTCAACCCGACGACCAGACGGTGGCTCCGACGACAGACTCTCTCG
GATGGTGGAATTCCCAACCGGCTTCGATGTAGCCCCGCCCTACCCAGACCACGCCACC
AATCACCGCCCTCTCCCCCAGGCCCGCCTGGAGCCCGCCCTCTAAAGCATGCTCC
ACCTGACTCCGACACTGCCGGGCTTAGTCCGCCGGGCTTAGTCCGTGGAGCGCTTGCGCA
TTTCTTGAGTTGTCGTGGCACTGCCAAATCTGAATGGGGGAAAGAGGGAACCTTCATATT
TCCTACAGACTCCGCCACAGCGACTTTGCGTGCTCTCTTAGAGCTGGTTTTGCCTTTCGT
GGTCTTGAGAACCTGGCTTTTGGTCCCCAATGCGGCTTAAGTGTGCAGGTTTTAAGTT
AGGCGATCTTCCGGCAGCCCTAGTCCCAGCACCGGGTCTTGCGCTGAGTCTCGGGACCA
CAGCCGGGGAGGCGGGTCTTCTCTGGGGCGGTGCGGTTGGCAGCGGATGCGGGAAGCC
GGACTCTGGGCGTCATGTACTACAAGTTTGTGGCTTACGCGAGAAGTTGGCAGGAGCAT
>EP73151 (+) Hs C5orf13; range -499 to 100.

CCCCGGGGCGCCGCGCGGTGCACTGGGGACGGCGCGGCGAGCGGGGCGCCGGGGCGCGG
GTGCGGGGTGTGCGGGCGCGCGCCTGTTGGCCGCTCGCCGACGGGGCCAGAGCCGCC
GATTCCTGCCGAGTAAGCAGTCTGGCTCCTAGGCGGCTGCACAGTGGCAGCAAGGCTGGG
GCGCTGGCTCCGCGCCAGCTCCATCAGAATTAGCTCATTGTTCACTAGCACCTAGCGGG
AGAGAGAGGGAAAGGGAGAGAGAGAGACTCTTAGAGAAAGAGAGAGACACACACTCTT
GGAGAGAGAGCGCAGGAGGAGATGATCTCTCTCTCTTTTCCAAGGCTGCACTTCT
TGGAAGTGAAGCCGTTTGGGTTTTGTTTCCCTTCCCCCTCCTCCCTCCTTCTCTCCAC
CCCTTTCCCTCCCCCTCCCTCCCCCAATCCCCCTCCCCCCCCAATCTGTCTTTCTAGC
ATGTTGCCCTTTTTCAACCACATTTGTGTTTCAGGTGTAGAGAGGAGAGAGAGTGAACAG
GGAGCGGGGCTTTGTCTGTAAAGTATATGCCATTCTATCCCCGGCTGGGAGCGCTGGTT
>EP73152 (+) Hs NDUFA9; range -499 to 100.

ACATTTATTTACTTGGGACACACCTATTTTGGTTTTCTCTTCTCCACTTTTCCCCTCGTT
CTTGTCCTCCCCCTTTTCTCTCTCTGGGCCCTGGATCTCCTGAGCGGAGGGCTACGCCT
CCTTCTTCTCCGACTACCCAGGGCTGCCAGCTTAGCTTACATTTTCAGGGAACAGGAA
ACTGAGAGTCAGGAAAGGTGAGCTCTTCTACCTCGGGTCTTGCCATTTTGCATGTCCTGA
GTCAGTCACTGGTTAACTCTGAACCTCAGGTTCTCGGCAATTAGAGATTATAAATAGCC
TATACAGCCTATTCCAGATCTGAGATTCCAACAGCCAAAGTCTTTTCACTTCTTTCTTC
CCCCTCTCTTCACTTTCCAGCTTTCTTCTTAACCAACAATCTACCCGAAACCGTCGTT
TCTTGTTAGCGCTTGCGCAGACAGGCGAGAAAGGTAAGTTTTGACCCAGCTTAGCAGCC
GTAGTCAGCCGGGAGTGCTGTGCTGGGGGATTGTGGGAAAAGATGGCGGCTGCCGCACAA
TCCCGGGTGTCCGGGTCTGTCAATGTCACGTAAGTGTACCGGGAACGGCGGCCCTG
>EP73153 (+) Hs NDUFS1; range -499 to 100.

GGGCGCCCCACGCTGAAGAGAGGAAAAAGGACCCGAAGAGACCGGAAAATTCCTTATATA
GAGACGGAGGCGTTTCCCTCCACCGCGCCGGACCGAAGGTTAAAGGTCAAAGTACTTTTG
CATTCCCCTTCTCCACGTACGAATTGGGGGCCCTGAATTAAATGGCCCAAAATTGTCC
ATGGACCTTTTCGTTGCGTTTGAAGTAAATTAATAAAATAGGCATGTCTTAAGTTCGTAC
CTCCACGGCTCCCGAAGATGACGGGAACAGCCCTAGAAGCGCCGGAGATGACCGAAGAC
GCCCCGCTCGAGGCTGGGGCCACTTCCGGCGGAAGTGCAGGTTCAAGTTGTCTTCCCG
CTCCGGGCTGGGCCGACCTCAGCTCCGCCCTCTGGTCGCTGACGGAATTTGCCGACAA
ACTTGTGCAATGCAAGGATTTAGTCCCTCCGGGCTTTCCGTTCTCCAGGCCCGGCTGAC
AGAGTTAGCCGAGGCGCCATATTGAATAAGCGACCCGGCTCCTAGGGGGTGTGCTGG
TCCAGACAGTTTAGCAGAACAGCCTCCGCGGCTCCGGGGAGAAGGTGAGGTCTTGTATGG
>EP73154 (+) Hs RPL10; range -499 to 100.

GACCCGTGCAAGCTCAGGGACACTCTCGCGGTGCGCGGAGGCCACCTAGGGTACTTTC
CTTTTTTCCACTCTCAGAAATATACGTCTGTACAGTTAACGGCAAAGCTAGGGCAAGA
GTTCTACGCCAAAGATGGCCAGCCGGAAGCGGGCTTCTCGCGACCATGTGGCGAAGCCCC
ATTCGTACAGCTGGCCGCCCGCGGCCCTGGTACCCGGTACCTCTCTGATCTGCGCATGTG
CTGGGCTACGCCGGGCGCAAGCGCCAAGAGCGGCTGCGTCTATGGTCATGACGTCTGAC
AGAGCGTCCACCCGTCTTCGACAGGACTCTATGGTTCTTACGCGCGCAGACAGCCGCT
ATATAAGCCATGCGCAGGCGGAGGAGCGCTCTTCCCTTCGGTGTGGTGAGTAAGCGCA
GTTGTGCTCTTTCGCGTGCCGTTGCTGGTTCTCACACCTTTTAGGTCTGTTCTCGTCTT
CCGTTCCGACTCTCTTTTTTCTGTTGACGCCACTGAAGATCCTGGTGTGCCATGGGCCG
CCGCCCGCCGTTGGTGAGTCTTGAATCCGTGTACTTTCACTGCTGGGAAACGGGCGGG
>EP73155 (+) Hs PSMF1; range -499 to 100.

CCGGCCTCTGCTTCCTCCAGCTCACAGGGTATCTGCTCCTCTGGAGCCACACCTTGTT
CCCCGAGGTGCCGCTGGGACTCGGGTAGGGGTGAGGGCCAGGGGGCACAGGGGGAGCCG
AGGGCCACAGGAAGGGCTGGTGGCTGAAGGAGACTCAGGGGCCAGGGGACGGTGGCTTCT
ACGTGCTTGGGACGTTCCAGCCACCGTCCCATGTTCCCGGCGGGGGGCCAGCTGTCCCC
ACCGCCAGCCCAACTCAGCACTTGGTCAGGGTATCAGCTTGGTGGGGGGGCGTGAGCCCA
GCCCCTGGGGCGGCTCAGCCCATACAAGGCCATGGGGCTGGGCGCAAAGCATGCCTGGGT
TCAGGGTGGGTATGGTGCGGGAGCAGGGAGGTGAGAGGCTCAGCTGCCCTCCAGAACTCC
TCCCTGGGGACAACCCCTCCCAGCCAATAGCACAGCCTAGGTCCCCCTATATAAGGCCAC
GGCTGCTGGCCCTTCTTTGGGTCA GTGTCACTCCAGGATACAGACAGCCCCCTTCAG
CCCAGGCCAGCCAGGTACTGCACGGGGCGGGAATCTGGGTGGGGGGCCAGAGTAGGGGATT

>EP73161 (+) Hs PIGPC1; range -499 to 100.

AGGAAGGGATCACCTGTGTACAGAGGGGTACGGGACGGGCTTCTGGGTTTGGGTGCACGC
GTCCAAAGGAGTGCAGCCTTTATCCACAGGTGCAATTAGAACACCCATCTCACACTGCTG
AAAACCTAGATATGGCACTGTGACCACCGCCCCACGATGCGACATCAGGGGTAGATAT
TAGGCTGGCGCTGTGCAGATAAAACAAGTGTATATGTTGGTGCGCCAGGAAGACAAAACAC
GCGCCTGGAGAGGCCAGGAGAGCGGGACTGGAGGGTTGTGGGACGCGCGGGACCCCTCGGG
CCGCTTCCGCCGCCGCCGGTGTACACAGAACCCAGCCTGTTTACCAGCGGCCCGCCCC
GCCCCGGCCCGCAGGGCAGGTGCGGGCGGGCGCGCTCTGAGTACCAGGAATCTAGGTGG
GGCCGCCCGGAGCGGCGTCTCGGGAGCCGCTCCCCGCGGCTCTTCGCTTTTGTGGCG
GCGCCCGCGCTCGCAGGCCACTCTCTGCTGTGCGCCGTCGCCGCGCTCTCCGACCCGC
TCCGCTCCGCTCCGCTCGGCCCGCGCCGCCCGCTCAACATGATCCGCTGCGGCTGGCCT

>EP73162 (+) Hs LCN7; range -499 to 100.

CTAAGGATCATACTCCTGGAATTCGAATCATTCTAGGAGCTGGGGTGGCTAGGGGGGCG
GCACCAAGCCTAGGGGGCACAGTGGAGAGGGGTGTGCATGGCTATTTTATTACCGAGG
GGTCAGGAGAGGCTTACAGAAATTTGCCTCACATGCCCTCCCCATCATTTCCAAACTTG
TGTCATAAACCAGAGCTCGGCTGCCATATCCCCCTTCTCCACCAGAGCCCTCAGCT
CCACAGGGATGCCCACTGTGAAGTCTTCCAGTGTGAAACCGCAATCCTTCTGCTTGG
GGTTCCCTAAGGGAACGGCTTCCGCCACAGGAGACCCAGCCAGGACAATCGTGTGCTTG
TCGTTTCTCCACCCTGCAAGCCCATGAGTTGTGGGTAGTTACTCCAGGTACAAGCCAGG
CGCCCCCTCCCTTCCGCCACTGCTGGGGCGGTGCAGAGGGCGGGCGGTACAAAAGCGCCC
CGCCCCGCGCTCCTCTTTGACTTTGAGCGTCCGGCGGTGCGAGAGCCAGGAGGCGGAGG
CGCGCGGGCCAGCCTGGGCCCGACCCACACCTTACCAGGTAGGGACGCTCCCCTGCTC
>EP73163 (+) Hs GBL; range -499 to 100.

TTTGAGGGGGACCTGGGCTCAGTGGGATGTCCTGAGGGTCAGGCTGGGGCTGGGGTGCC
AGATCTAGCAAGTAAACTACAGGATACCCAATAAAATTTTTTTAGCATAAGTATTTCCC
ATGCAATGTCTGGATATACTTACATAAAAAAAAAAATTATTCGTTACTTGTCTGAATTC
AAGTCCTGTAATTTTACGCCAATCCTAGCCACGCTGGCGCAGTAGTGGGTACGGGAGGG
CACCGGAACAGCGCAGCCGACAGCCCGGGAAACGACAGCCGTGTGAGAAGGGCAGGTG
CCAGTGGGCAGGAGGCCGGAGAGAAAGCCGAGCTTCTTCCACCTCGCGCCGGGCCCGC
GGCCGCGCACGGGGACCGTCCGAGTTCTCCCGGCGGGAACCCCCCGCCCCAGAACTTT
GGTCTCGTCCACCCACCCCGCCCGGCCATGGTCTCGCCCTAGGGAGCCATCGATAAC
TCTACGCTCGGCTCGATCGACTCGTCCGGCTCCCTCGCCGTCTGGACACGGCGGAG
TGCGGAGCCGCCGTAAGGTACGGAGGCCGCGAGCCAGGGGCCGGGAACCGGCTGCTGGG
>EP73164 (+) Hs C9ORF19; range -499 to 100.

ATTAGAGGGCGTGTCTAGGAGAGAGCATCCCCCTCCCCGGACAGCCGCCCTCCGGAG
CCCAGAGTCACCGGAGATGGGGGCACACCCCGGGGCTGCGTGTGCTGTCAGGCCGCGG
CAGGGAGAGGCCGTCCCCTGGTGGCGCCGCCGGAACGCCCTCGTGCCGCGACCGCGCG
CCCCTCTGTCTCGCCGCGCTCGGCGCAGAGCAGCCACCCGGGGCCAGCAGGCGCGGG
CTTCCCCACGCGCCCCGGGAAGGGACAGCTCGGTGTGGGGTCCGGGAGGCTTGAGCCCCG
CGGCCGATCCGGGGAGCCCTCGGCAGTCGCGGAGCTGCTTCCAGGGGTGAGCTCTCCG
GGAGGCCCACGGGGTGGCCCCGGGCGCCTCCGCCCTCAGCTGTGCTCCTTATAAGGCGG
GGGCCGGGCGGCCGGAGGAGGGGCCGCGCATCAGCCCGGTCTGGGCTCTGGGGCGG
CGTGGGCCGGGCGAGCGCAGTGCAGCGCAGCCGCGGGGAGCGAGGAGCGCGCGAGCCG
GCCATGGGCAAGTCAGGTGAGCCCGGGGCTCGCCGCTGCGGAATGGTTCGGAACCCCG
>EP73165 (+) Hs RAB18; range -499 to 100.

TTAACTCACTTAACCTTCATAACAATAAGAAGCAGATGTTCTAAGAAGTGTACTGTGTC
TCTCAGAGATGGAGAAAGGCTAAGAAAGCTGGGTAGTATGACAAGGCAGTTATAAGGTAG
AGCTGGACCTAAATTTAAGATAATCTGCTTCAAGCACAGTGCTTTTCCACCGCAGTGCA
GCTGTTATGAGCAGCTGCCGAAATAAAACAGCTTGATATTCTCTGACTGAGTCTCTCCA
CTGACTCAAAAGGAGGGTTAGGTTGAGGCTGGGGCGGAGCTAGACCTCAAGAAGAAGCCA
ACAAAGTCACACACAGCGCTCCCCACCTGCGCTTGCGCAGGGGAGGAACACGCAGTCCGG
AAAAACGCCGGGGATTCTGGGTGCGCAGCCGTGGAGCTACCTCAAGGCGGAACCTGGGGA
GTCCAGGGCTTCGGCAGCCTGAACACCCGGTGTGAAAGGAAGGTGGCAGACGTGGAGCGG
CGCGCATGCGCAGCAGCTCACTCTGCTGAAGGGCTGAGAGGCGCACCCGGGCGGCCAGCT
GGGCTCGGAGCGGAACGGGTGAGGATGGACGAGGACGTGCTAACCACCTGAAGATCCT
>EP73166 (+) Hs LIMR; range -499 to 100.

AGAACCCTAGGGTGCCCTCACATCCTGCCTGGCTGGCCTGCTTCAAACGGTTCATTTAA
CCAAGGTCATACTAAAATGTTGGCTGCTACTAAAATCCAGGAACCTTCACTTTTCCAGA
TAAGAGAGACAGTTGCTCTATTAGTATGGGCGAGCGGTAGGCCCAAAAGATCCCGCCTTCC
TCCACAGGGCGAGCCTATCAGCGCTCCTCCAGCGATGAACGACAGCTCTCCAGGAGCCAA
TGAGTTCTTCCCCCTGGAAGGAACCCGCCCATCCCTTGTGTCGTCAGTACTCTTTAAA
AAGATGGACCTCAGCGGCGCTTCTCGTAGCGAGCCTAGTGGCGGGTGTGTCATTGAA
ACGTGAGCGCGACCCGACCTTAAAGAGTGGGGAGCAAAGGGAGGACAGAGCCCTTTAAAA
CGAGGCGGGTGGTGCCTGCCCCCTTAAAGGCGGGGCGTCCGGACGACTGTATCTGAGCCC
CAGACTGCCCCGAGTTTCTGTGCGAGGCTGCGAGGAAAGGCCCTAGGCTGGGTCTGGGT

GCTTGGCGGCGGCGGCTTCTCCCGCTCGTCTCCCGGGCCAGAGGCACCTCGGCTT
>EP73167 (+) Hs FLJ13390; range -499 to 100.

CACCTCAGTGTTGATTGGGCCACAGGTGTGCACGCCACAGCCCATGGCGGGGAGCTGTTT
GTCGGAAGTGTGGACAAAGTTTGTACCTAGAGCTGGATGTCCACGTGGGTGGGAGGAAAGC
CCTAGAGAGGGGCGGCTATTCCGACAGCGGCCACATTTAGTTGGGGCTCAAGCAGTTCTGT
TCAGAGAATTCTAAATTTGAAGTTGGTCTTTCAGGTCTTGGGAAGATGAGTTTGTACCGG
TAGGAGAGAGAGACGACACTCTTTTGAAGGTGCTGAGCCGGAAGAAGGCTCATAGCAA
GCTTAGGCTGAAGCCTTTGGCGCTCGGGCTCTGGACCTACAAAACCCAGAGTGCACGCG
AGCGCTGAGCCAATCAGGTGCTGCGCCTCGGCCAGTCAAGCGGGTGTGTGGCACCTTGTG
GGCGGAGACCACGCTCTCTACGCGGGGGCGGGGACACGCGGCTCGCGCGCTGTGGGCG
GTGCCCCGGCGGGGCCACGCTTTTCCGGCCCCGAGCGCGGCTGGGCTCCCGCGTGTTA
AAAGTGCCTTGTGGCTGTGCTGTCTTAAGTCTGTGCTTGGCGGACAGACAGGCGAGA
>EP73168 (+) Hs ACTR6; range -499 to 100.

CCTTGGTCTCTAAAGTGTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCTCCGGCCCCAAAAGCC
TTTTTTGGATGAGAAAGACTCACTCAGCTTCGTCTGAAGAGCAAGTGGGCTGGGGAAGA
GGAGAGTATGAATGTGAGTCCAAGAGCAAGTTTGCACCTTTTTCTTCAAAGAATGTCAC
CGTCTGAAGAATGCGATTGGAAGACACACACACACACACACACACACACACACGCGAGC
CGTTTCTCTACAGGATTAGAAAAAACTTGCGCGAATTAATCTGCGTAGTTAAAAACAAAT
ACGAAATGAGCGAGAAAGCACATAGTAGTCAAATCTCGCCACCACATAAACAGGTTAAGT
TTGGAAGCACAGCCCCAACATTCGGTGTGCTTAGCATCTCCGACTTCCGGCGTCTCTCC
GTTGCTAAGGTGACCAGAGGCGCGTCTAACGCTCCGCCCAACAAACCATAGAGTACCGG
AAAAAGCTCGAGCAGAGGGGTGCGAAAGGGAAAACAACACTACGGCTGCGGTGTGGTTGGTG
GTGAGATGACGACCTTAGTGTGGATAATGGAGCTTACAACGCCAAAATCGGTTACAGCC
>EP73169 (+) Hs D21S2056E; range -499 to 100.

GTGAGCCACCGCGCCCCGGCACACCCCTGGTTTTAAAAATAAAGTTTCGAGCCGAGAGTGG
TGCGCGCCGTGGTCCCAGCTCCTCGGGAGGCTGAGGCTGGGGGATCCCTGGAGCCCGCGA
GGCAAAGGCTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCTTGCACTCCAGCGTGGGTAAACAGAGCGAG
ACCCTGTCTCAGGAAAAAATACAAGTGGGGTTATAAATAAATGAGATTAAAAACAAC
AGATCTTTGCCCTCAGAATCCCGACCCACCGCAGCCCCAGCGAGGCGCAGGCGCAGGCGCA
GGCGCGCGCTCGCTGGTTCGCCCATGCGCACAGGCAAGGAGCGCGCGCCCCCTCTGTAG
CCTTCGGCTCCGGGGGCTGCAGTTGCGCGGCTCGGCCACTGCGCGGCGGTGGCGTGCGC
CTGGGCGGTGTGCGGGGCTGTGACGTACGCCACGCGCCGGGGCCAGGAGGAGGCGGGCG
CAGGAGGCGCGTGTCTAGTGTGCTGGGTACAGGCGACTCCGGGACAGGGGGTCTCGGCC
GTCGGCGTCATGGTTTTGCGCGGTGCAGTCCCGCCTGAGATCCAGCTGGCTCAGCGCCTG
>EP73170 (+) Hs ANLN; range -499 to 100.

CCTTTTTTTTTCTTTTTTGGAGCAGGGTCTCACTTGCCGCCAGGCTGGAGTGCAGTAG
TGAGATCGCAGCTCACTGCAGCCATGACCTCCTGGGCTCAAGCGATCCTCCAGCCTCAGC
CTCCCCAATGTGGGATTATAAGCATGCGCCACTACTCCCGGCTTAATACTTTATTTA
GGAATGAAGGAAGGCGGGAACACCCAAACGCGTTGGTGTGAAGCAATCGCTTAAAGCT
GAGGGGAATGTGTGTTGTTGGGGTGGAGCCAGGAACCCGACGCCGTTGGAGAGCAGGA
AGCGCCCCGCTGCCCGCTCACCCCGCGCGAGGGCTGGGAGGGGGCCGGGAAGGAGGC
GGGGCCGCCCTGGGAACACCCGGCCCGCGCGGCCACGTGACCGAGCGCAGGGGCGGG
GAGAGGGCGCCCCGGCTCCGCCAGCGCGCATGCTCGCGGCTCGGCGGTGAAATTCAAAT
TTGAACGGCTGCAGAGGCCGAGTCCGTCACTGGAAGCCGAGAGGAGAGGACAGCTGGTTG
TGGGAGAGTTCCCCCGCTCAGACTCCTGGTTTTTTCCAGGAGACACACTGAGCTGAGAC
>EP73171 (+) Hs LUC7A; range -499 to 100.

AAATTCACACTGGGAGACATTTGGTGTAGGACTGAATCCCCGTATTTTGAAGCCGCTT
TGCTCTTCTTGCCTCGATTTCCCATCTGTTAATCAGGAGACTCAGGGCGGGAGGACAA
AGCCAGGTGCAAGAGGCGTGAGCACAGGACTAGGAAAAATGGAGTCGGAAGCCGTAATCT
TCAGTTTTCTCCGCTGCATGAGGCACCATGTGCACCACGTGGACTAAAGGAGACACTTTC
TCCATTTTGAAGCGGTGTCCAGGCTTCAAGACCTAGGCTCCAATTTCTCACCGTGAAGAA
GCTCGGGAACCCGGGCGCTTGGGGAGGCGCGCGGGCAGAGGCTACCCGTCCCCGCGGCC
TCTAGACAGGGGCGGAGTCCCTACCCGGCTCCGCGGGCCCCGCCCCGGACGGCGGAAG
CCGAGCTCGCCCTCTCCGCCCGGGCTGGGCGTGTCCACGGGCGCACGGCATGCTGGGA
AGGCGTCCGCGGCGGGCATTGTTGCTTGTGCGGCTCCTGTGTGTAGGAGGGATTTCCGC
CTGAGAGCGGGCCGAGGAGATTGGCGACGGTGTGCCCCGTGTTTTCTGTTGGCGGGTGCCT
>EP73172 (+) Hs FBL; range -499 to 100.

TTGGTGTCTATTTCTCCATTAAGATGAAGTCCAGGAGAGTGGAGATTTTATGTCT
CGTACACCGCTGTATTTCCAGCTCCTAGAACAGCACCTGGTACACACGAGGTGCACTGTA
AATGTTTTTCGGATGTTTGAATGGAAGCCAGAGTCGGTCACTGTTCTTGGGGCTGGAAA
TGATTGGGGAAGCCTTTTGGGTGTACAGGGGCCAGAGGGATTTAGCTAGGAATACAAA
AGAGGGCACAGCCCGTGCAGAGGCTATGAGCCCTGATTATTGGGGTGTCTGCATTGGGGA
AGAGGAAACCGGAAGCGAGTTTAGGGCGACCGCTGCACAGGCAAAGGCTGGGAAGGCAGA
GAGCGAGGGCAGCGGTTGCGTGTGACAGGCTCGAGAATCCAGGCTCACTGCGCGTGCG
CCGAGCTCCGGGCGGGGAAGGGGCCCGGGGCGGGACTACGGGGTGGCGTCACGCAGCGC

ACGTCGCGCGCGCCTGCGCTCTTTTCCACGTGCGAAAGCCCCGGACTCGTGAGTTGTG
AACGCCGCGGACTCCGGAGCCGCACAAACAGGGCTCGCCATGAAGCCAGGTCAGGCTGG
>EP73173 (+) Hs SAP18; range -499 to 100.

CATAAGTCCTGAAGATATTCTAGAAGCTTATTTCTACAAGTTCTGGATTGCTGTACGC
GTTTCAGGTCTCTAAGCCACCCGAAGTGTGTGTGGCTGGAAGGATCGCTCCATGACCACGT
ACGCTGGCGGCCCTCTTCCGGCTTACCTCAGGGGCTGGTATCGCGGGCTGTTCTTTCA
TCAGAAAGATCTATATTTTGTAAATAAGGAACGCTTTGTGTCCAATAAGGTTTTCTGCA
TTACGCATGAAAACGCCACCTTAAGCTTATGTCGCTGTGAATATTTAAGGGAAAAAAC
ATCCCGGCAACCACTGCTAGGCGACGGACGCTAAGCACCTCTCCCCGCGGACGTCAGC
ACCCGCTTTTCCCGAAGTCGCAACACGCAGGCGCGCTCCGGCTCGCTACCACGCACGG
AAGTGCGCCTGCGCCAGGAGACGCCCCGCCAGCCCCCTGGCCGACTATAAAGTGTGAGC
TTCTCCTCGCGAGAGACTTAGTGCTCATGCTCGCTGCAGGGGTGCGAGGTCAGGGCGAGC
GTCTCGCAGGCCGTAGGAGGAAGATGGCGGTGGAGTCGCGCTTACCCAGGAGGAAATTA
>EP73174 (+) Hs PRNP; range -499 to 100.

CAAAATTTAAGAGTTTATGTGAAAATTCATAAATATTAATCTCAATCCAGGTTAAGCAAA
ATTTTTTGTCTCCTCTTTAGAAATTTCTGGTTGCCAAAGTTCCAGAAATTGCTTCTCA
TTCCTGAGCCTTTCAATTTCTCGATTTCTCATTATGTAACGGGGAGCTGGAGCTTTGGG
CCGAATTTCCAATTAAGATGATTTTTACAGTCAATGAGCCACGTCAGGGAGCGATGGCA
CCCGCAGGCGGTATCAACTGATGCAAGTGTTCAGCGAATCTCAACTCGTTTTTCCGGT
GACTCATTCCCGGCCCTGCTTGGCAGCGCTGCACCTTTAACTAAACCTCGGCCGGCCG
CCCGCCGGGGGACAGAGTGTGCGCCGGGCCGCGCGCAATTGGTCCCCGCGCCGACCTC
CGCCCGGAGCGCCGCCGCTTCCCTTCCCCGCCCCGCGTCCCTCCCCCTCGGCCCGCGC
GTCGCTGTCTCCGAGCCAGTCGTCACAGCCGCGGCCGCGAGCTTCTCTCTCTCTC
ACGACCGAGGCAAGTAAACGCCCGGGGTGGGAGGAACGCGGGCGGGGGCAGGGGAGCCGC
>EP73175 (+) Hs PXP3; range -499 to 100.

GGGGGAGGTCCTCAAGCGCAGCACAAGTCCCCAGGCCGACGCAGCCACCTGCCCGAG
GGCTCCTCCCCACCGGCCATCCCTCAGCCGGTCTCTCTCCGACAGCGAACAAGGAACC
CCGGAGGCGCGGAGGCGTCTCGCCGCCACCCGGCGGCGCTGCCAGAGGCCCTTCGCGAT
GTCCGCAAGCAGAGAAAGCCTGCCCTCCCAAGCCCCGGCTTCCCTAGGCCCTCGACA
CTTGTAGTGTCTCACTTGGCGCCCTGACCCGGGGCTGACCGGTTCTGACTCTCTGC
CAATCAGAGACAGAGTTCTTCCGGCCAACCGGCCAATCACCGCGCGCGGGTGTCCGCTT
GGCTTTTCGGCCCTTCGGCTTTCGGCTTGTGCGGTTTCGCGTTGTTTGCCATCCAGT
GCCTTCAGCAGCGCCGCTAAAGCGCAGTTCTCGTTGGTGAATTTTTCTTTTTTTTC
AGCCAATTCGGCTCTGCGTCTCGGCAAGCCTGCGAGTTCCGGAAGCCTTGGTAATC
CAGATTGGGCTAGGAAAAGACAAGCTTTCCAGAGAATGTTTCAGAGAAAGTTACGTGGAG
>EP73176 (+) Hs SPUVE; range -499 to 100.

AAATTTGCCAGGGCTCCCCATACACAGGTGTGGCCGCGTCCCTAGTTCTAGGCTGTT
GGGGGAGGGGTGCGCTTTTGTAGGGACCTGGTCTTTTTCGAGCTGGCAGCGTGCTCCC
AGCAGCGAAGGCCGTAGTCTCGCTCAGGAGGCCGCGCGCCAGACCCGGGGATGCGCGGTG
TTCAAAGGGTGACGGCGCGGGTCCCGGGCAGGAGAGCCGCCAGAGCCGGTGCTGCCT
GGCGCCGAGAGCCCGACTGCGGACTGCTGCCGCGCCACCGGGGCCACCTGCGCAGGG
ACGCTCGGCCTCAGGCCCTCTGGGCTGCTCCACCCTGCTCCGGCCGACGCGAGCGGCGA
GGGGAGGGGGGACGGTTATGTGACGTGGGGCGGGCGGCTCCGCGCGGCTTCCCCGAG
GCCGGAGGGGGGCGGGGGGCTCGGGTGGCGGGGGGCGGACCCGCCAGCTGCCTGC
GCTGCTCGCCAGCTTGTCTGCACTCGGCTGTGCGGGGGGCGAGCATGGGAGCCGCGCGC
TCTCTCCCGCGCCACACCTGTCTGAGCGGCGCAGCGAGCCGCGGCCGGGCGGGTGC
>EP73177 (+) Hs MKS; range -499 to 100.

CTGTAAGCCCTCAGGAAGGACTGAGGGCGGATGCTTTAGTAGAAGGCAACTAGCTCTCAC
GGCGCATGTCCTTTTCCAAACCCGATCCCGGGAGTTACGGGAGAGTAAAAATCCTGATT
TTCCAGACAACCGCACAGAGAGGGGATGCTGCGCTGAGCGACAAATCCAAGCGCTTT
GTAATTGGTCATGTGAGGACAGAGAGCAGAGCGCAGTGGACTATTTCTTTCTTTCATTCA
ATAAATCATTGTCAAGCGCTCACAAAAGGCAGAAGCTGTGCCATTTTGATATGTTATTT
AAATTTTATGCGTTCTTTTAAATTTTCAAGTTTCAACAATTTGCTGGAATATACGCTGAAT
AAACTTGCCTCCCCGTTTTTCCGGTGACGGCCGCTGTTGGCTGGAGCTTACGGAAAAC
CCGGAGAAGCGGAGTGGGGGCGGCCGGCGTCCGACGAGAGCTGCGCGTGTCTCGTGCC
CTCGCGGACGCGAAGGTTGTGGGATCCGCGGACGAGCGGCTGCTTGAATCTGTTTC
TGGGGCTCTGGCGGTGGCGGCTGGGGGCGCGGACGCTGGTGCAGGTGAGAGCGC
>EP73178 (+) Hs PLOD3; range -499 to 100.

TCATTACGTGGCGTTTCTTTGGAGACAAGAAAGCTTTTCGCCATGTTTTATAGGGGCAAA
ACCACTTCCGGCCTCAGTGTGGAGGTGTAATCTTGTGGGAGCCACGAAATGGGTCAATT
TAAAGATGTGGTCACGGTGTCTTACAAGAAATCTTATTTTCTTTGGTCTTGTGAAGA
TGCTGTGATCACAAGGACGCCCCTGGAGCTTCTCCGGGCGAAGAGGAGGTGGGCTGGA
CTGTCAAAGAAAGTGGCTGGCTTCCGTGGGCAATCCGAGGTTCTAGTGGCCCTCTGCAG
AAAGCTGAACTCCAGTTCCCCCAGGCTCCGTCCGCGGCGGACTCTAGGCTTCTCC
CTCCCTGTGCGCGCCAGCTCTCGCTCTCCCCGTCTCCGCCGCACTCTCTGGGCAAGG

CTGCGGCCAGGACCCGCCCCGCGTCCCGCCGACCCTCCGCCAGGGGTCACTTCCCCTG
TCCAGGTTTTCAGCTTCCACATGTGTCAAGCGGCTGGCTCAGCCCAGAGTCCCTGTCTCCC
GCCC GCCGCCCCGAGCCGCCGCCCTCCCCGCTCCCGTGCGCCGGGACAATCCTCGC
>EP73179 (+) Hs FLJ13868; range -499 to 100.

AGAAAAAAAAAAGAACAAAAAAGACCCAAGCAGCTTACAGGGCCTCATCTGGTCCAAT
TTCTTCTCATGATGCATTCATTCATCATAAATATCTTTTGAGCACCTACTATGTGTTGG
GTAGATCTAGGGATAAAATCAGGGTTAAAAATACAGTCGCTGGTCTCACAGCAAAAAAGG
CACCTGAGGCCAGAGAGGGGCACTGACTTGCCAAAAGTACAAGCTAAAACCTTCTGTGG
CCGAACCGCGTCTCGAACACAACCTGGCGGAGGCCCCACGGCGCCTGCAGCCAGCTGCAGA
ATGCTACAAAGCAACGGGGGCGGTCGCCGGGCGTCCGAAGCAGCGCCGAGGCCGGAGAG
AGCGACAGTCAGTTTCTAACTGCGCGGCGGACGCCGAGGCCGGCGCCTGTTCTTGAAG
ATGTCCCTCTGCAGCCGCGGTAGCCAGCCGGAAGTGCCGCTGCCACGTCCACCGTGCG
GCAGGGGCGGGGCTGGGATCCAAAAGCTCGGCATGGCTGACGACGCGGGTTTGGAGACCC
CGCTGTGTTCCGAGCAGTTCCGGTCCGGGGAGGCACGGGGCTGCCGCGCCGCCGCGGACG
>EP73180 (+) Hs FLJ11730; range -499 to 100.

TAATGTAGCCCCAACAGGGAGGGCCTGAATGAAGTAGTGAGGTGGCAGAAGGCGCAGGC
ACAAGCAAAATGGATTGCGAGCTCTTCCGGAGTCGAGTCCATAGAGCTTGACCTGGGATC
GCGTTTTACTCCAGGTGCAGAGTGAGGAAAACCGCTTTCTGACGCAGGCAATTCGGTGG
ATAGTGAAAGTCATTCATGAAGTGGACTGAAGCGGGGCGCACAGGAGACTCGGAGGCCT
GAGGACGAGCTAGGCTTTGGACGCGGTGGATTTGTGGCGTCTGTAAAGCCGGCGGCCAGC
CGAGGGGCGAGGAAACGGCAGAAAGCAGAAGCCGCATCTCTAGAGCTCTCCGAGAAGGACC
TTCGAGAGCCCCGGCTTAGCGAAGCTCGGCACGGCGCTGCACGCTCTCCGGAAGCCGC
GCGCGCAGGCGCAGAGCGGGGGGCGCCCCCTGGCGGCGCAGGACCGCCCCAACCTCG
CGCCGCCGCCGCCGCTCAGCCCAACATGGCGATGCACAACAAGGCGGCGCCGCCGCGAG
ATCCCGGACACCGGCGGGAGCTGGCGGAGCTCGTGAAGCGGAAGCAGGAGCTGGCGGTG
>EP73181 (+) Hs FXR1; range -499 to 100.

CAACAGTATGTCTATTTTGTAGGCATCCCTCTTCCCCAGGGCAACTGGAGCCAAAAAGT
GGGTGAGAAAGCCATTCAGGGCAGCCAGCACTTCCAGAAGTTAAGGTGAGGATGCCGG
AGCTCAGGGGAATGCCGATGCGCCGGGCGAGCTGTGCTGGGCAGTTCTTGTGGCAG
CTGGAGGCACTACTCGGCCGCCGCGGTGCGAACTGCGGGCACTGTGGGGCGGAGACCTAG
GGGCGGGTCAACAAAGTTCGGGCGATTGTGTCTGGAGGCAAATCCGACGTAGACGGCGGC
AGGCGGAGCCCAAAGCCGGTGATGCAGGGTGCGCAGGGATCCCACCTGGAGAGTCGGGGC
GGCACGTTTGAAGACCCCGGCTGCAAGGGCGGGGATCCCAATCCAGCCCTGTTTTCCCC
TCCCCCTTCCCCGCTCCTTCTCGCCCCCTCCCCCTCCTCCCTCTGGTTGGAAGTTTC
TAGAATCTCTTCCCAGCGGCTTTGCGGTTCCAACATGGCGGAGCTGACGGTGGAGGTTT
GCGGCTCTAACGGGGCTTTCTACAAGGTACTGACCGTTTTGCCACTTTGTCGAGTGTCT
>EP73182 (+) Hs RPLP1; range -499 to 100.

GCTCAGTGCCTGGGACATAGTAAGCGCTCTACGGCTTCTGCTAGCATAACGCTGTTAGTT
TCTCTCATCCTCCTACATCTACCTATCTCAACCAAGTCCTGCGCTAAGCAGGGGCTCC
AAGCTGGGACGACGCCCTTACTCTCAGGGTCAGCGCCGCTGGGAAGGCCGCGACCTAAC
CAGGAGATTACGAACAATGTACCAAGGGCCACAGCGGAGCTCCTGCCAAGTCAAGCAACT
CATGGAACCAACGGAGGCGAAGTCCGAATACCTAGGCAACCTAACCTAAAAGTGTTTTT
AACGTTCTCAGGTCTTATAATTTACCCAAATAAAGTGGGACCGTATTTGCAGGCGCTGAG
AACTTTCTCAACAGTAAGAACCAATCAGGCGCAGTGCGCAGGCGCCTTCAGTGGGTCT
GGGTCCGCTCTTCCGCCCGGTGCGGGCGCGGATTGGTCCGCGTGGACACATAAGAGGT
GCGTATAGGCGCGAGAGCCCCCTTCTCAGCTGCCGCCAAGGTGCTCGGTCTTCCGAGG
AAGCTAAGGTGCGTTGGGGTGAGGCCCTCACTTCATCCGGCGACTAGCACCGGTCCGG
>EP73183 (+) Hs RPS4X; range -499 to 100.

AGGCGCCCGCACTATGCCCGCTAATTTTTTTGTATTTTTTTTAGTATAGACGGGTT
TCACTGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCATGATCCGCCCGCCTCGGCCT
CCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTAGAATCATCTGTACGTGAGACTGGAAGTAAGCTCA
CTTTGAACTCTCCTTGAGGCCAGGGATGTTGTGTAGCTCATCTTTGTATTCCAGCACCT
AGCACAGAATAAGGCACACAAGAGGCGCTCAGCAAATATGGGAGGAGGAAGGGCGGAAAA
AGGGGAGGGAGGAAATCGCCCTTAGGAGACACCCTCTTCCGCGGCGGTTCTCAACTCG
GGACTTCTGACCTCCCACAGCAGATGGCAAGAAAGAGTCCCGGCGGCCAGCAAAGGGC
TGAGCTGGGCGGAGCAGCTGAAAATCCGGCGCGCGCAGTCTCCAGCCCCAATTTCTACGC
GCACCGGAAGACGGAGGTCTCTTCTTGCCTAACGCGAGCCATGGTAAGCCGTTTAGTT
AGCGAGCTCTTAGGACGTATCCGCTCCATCTCCCCGCGCGGGGCTGCCCCGAGGTTTC
>EP73184 (+) Hs ENG; range -499 to 100.

TAGTAGGCCGGGTTTGATGCCCGACAAGACGTGAAGTGGTGGAGGTGGGCAGGATCCCAG
CGCTACCATCTTCTGAACAGTGATCTCAACACATCGGATTTCTGTTTCCTCATCTGCA
AAATGGGATCAGTGAGCTCAGGTGGGTCAAAATCTACAGGAAGTACTTTAGCCAAGAC
CGGCCCCCTGAAAGTTCCTTCGGTGGGCTGTTAGGGTGATTGTTTTCTATCTGTGGGCT
CCCTGATGCGTCCACCCACAGCCTTGAGAGGGTGGGATGGGAGGGTGGGGTGCTTGG
GGAGACAAGCCTAGAGCCTGGGCCCTCCACCCCACTGCCTCCCCCATCCCAGGGCCCC

CCACCCAGTGACAAAGCCCGTGGCACTTCTCTACCCGGTTGGCAGGCGCCTGGCCAG
CCCCTTCTCTAAGGAAGCGCATTTCTGCTCCCTGGGCGGGCGGGCTGGATGAGCCAG
GAGCTCCCTGCTGCCGGTCATACCACAGCCTTCATCTGCGCCCTGGGGCCAGGACTGCTG
CTGTCACTGCCATCCATTGGAGCCAGACCCCTCCCCGCCATCCTTCGGACAGCAAC
>EP73185 (+) Hs CLU; range -499 to 100.

TGTTTCCAGGAGTAGGCGTTTCAATACTTCTGTCTCTTCTCCAGCACAAGGCCCTT
CTCCATCCCACCCTCATTATGTCTGACTCTTTACTATTTAAATGGGTCAAGAGAAGTGGC
GCTTGTGTAATGTGAAGGTTAAGGTCAGTAGGGCCAGGGAAGTGTGAGATTGTGTCTTGG
ACTGGGACAGACAGCCGGGCTAACCGCGTGAGAGGGGCTCCAGATGGGCACGCGAGTTC
AGGCTCTTCCCTACTGGAAGCGCCGAGCGGCCGACCTCAGGGTCTCTCTGGAGCCAGC
ACAGCTATTCTGTGGTGATGATGCGCCCCCGGCGCCCCAGCCCGGTGCTGCACCGGCC
CCACCTCCCGGCTTCCAGAAAGCTCCCCTTGCTTTCCGCGGCATTCTTTGGGCGTGAGTC
ATGCAGGTTTGAGCCAGCCCCAAAGGGGGTGTGTGCGCGAGCAGAGCGCTATAAATACG
GCGCTCCAGTGCCCAACCGCGGCGTCCAGGAGGAGCGCGGGGACAGGGTGCCG
CTGACCGGTGAGATGTCCCGTCTTCCCTACCCTTGAGCAGAGCCACACCAGGACGGATG
>EP73186 (+) Hs PRKABP; range -499 to 100.

GCCCCGACAAAACTCACTCCCGCTCTTTGGCACTTAAGTTGGCGAAACTGGGATGGGCT
GGGACCTCAAAGGGCCATTCTAGTAGGGGAGTCACAGGCCCAGGTGGTGAAGGGGTGAAA
GGGCATGATGTCTTGGGGTTTATAGTCCACTGAGCCTCGCCGAGGTAACCCCGGCTCAG
GGATGCTTTCGTTGCCATGGCAACCGCGGGCCGGCGGGGCCCTGAGTGACGCTGAGG
AAGCTGGGACAAACCTGCCCTTCCCAAGATGGCGGGCGGCGAGGGCAAAGGGCGGGGT
TAGACGCTGTCAGCCTGTCCAGACCGTTCTCTGTTTTCGCTTGTTCTACTAACAGCGA
GCTTCCGCCAATACTTGTTCTCGTTCTTGGTTCCGAGCGTCCCGGAGCCGGGAAGGGAA
GGATTGTCTGCAGGGATTGGAGCAAATATCCAGTGGGGGAAAGCCGGGACTTCCGCGTC
TTGCCGGAAGTGACGTGACAATCGCGGCCACCGCCAGGTGGAACGGCAGGTGGGTTCAGG
TACCAGCCTGGCCGGGACCCGCTGTGGGACCAACGCTTCCGGTGAGCGACAGAGGCAGC
>EP73187 (+) Hs PON2; range -499 to 100.

TTGTGCCAATGTACTCCAGCCTAGGCAACACAGCGAGACCCTGTTAAAAAAAAAAAAAA
AAGTATTACGAGGCACAGGATGTTTATTTATTCGCAACTACGTCTGTATAAAAGTAG
TGATTCCAACGTGAAATATTTACACGACGCATCCCGTTACTTTCCCTCCCTTGCCACCG
ACCCCATCCCCAAAAGCTGCTTTCTATGTAAGTTTCTCACTGGAATAGCGAGTGAGAAA
TGTGTTTGAAGACTAGGGAACGAGAAAGGTATGCGGGCTGCTAGAGGGTTTCGGGTGGG
TTGTTTGAAGAAAGTGAAGGAAATCAAAAGTTTACATCATGAGCCTAATGTAAGGCG
TGTCGGGGCGTCCCGAAGGTATCTGGGGAAATAGGTTTGTGAGGACAAAGACCAGGGCC
AGGCCCAGGGCGGAGCCTCCGCGCCCCGACGCAGGGACTCGGCCTAGGCGGAGGACGGG
GCGGAGCGCGGGCCGCCACCATCGAGCCGGGAAGATGGCACCGCCACGGAGCTGCTGGCC
AGGCGGAGCGAGGCAGCGCGCCCGCTCCGCGCCATGGGGCGGCTGGTGCTGTGGGC
>EP73188 (+) Hs SERPINH1; range -499 to 100.

TTGAATGTACAAGTATGGAGAAGGGCACTGCCTTCAGAACCTGAACGTCTCCCCTGAGA
GGGAGGGGGTGACAGGACTCAATTGTTTCAGCTTGAAAATGGGGGAGAGCGGGGAGAAG
GGGAGATGGCTCTGCTTGGGGCAGAGCCCCGCGGGGAAAGGGGCGCCTGAAAGGACGTG
CGATTTCGAGTGGGCTAGCTTATGCAGAGAGCCTGGGGGTGGGAGGAAGCTCGCACTCTG
AAGGACACGCTGATCCCCGTGGGGACTCCCGGCGCCCCGAGCCCGGGCCGCGAGGGAG
GCAGTAGGACCCAGGGGCGGGAGGCGCCGGCAGAGGGAGGGGCGGGGGCCGGGAGGT
TTTGAGGGAGGTCTTTGGCTTTTTTGGCGGAGCTGGGGCGCCTCCGGAAGCGTTTCCA
ACTTTCCAGAAGTTTCTCGGGACGGGCAGGAGGGGTGGGGACTGCCATATATAGATCCC
GGGAGCAGGGGAGCGGGCTAAGAGTAGAATCGTGTGCGGGCTCGAGAGCGAGAGTACGT
CCCGGCGCTAGCCAGCCCGACCCAGGTGAGGGGCGGGAGACGCTGCGTGCGTGCGGCC
>EP73189 (+) Hs SERPINB2; range -499 to 100.

ACAGCTTGAGACAATGTAAGACAGATTAAATAGAGAATTTCTAAGACAGAAAATGGATT
TTTTCTTCCCTCCCATGCCCTAAGCATCGCTTGGGTCTCCCTAGGCTCAAAAGAGAGAGT
AAATCTCATTATATTTATATATTGGAAGAAGCCACAGGCCATGGTTGTCAAAGCTAGA
AGAAGTATTGTAGAATTTGATACTATCCTTGAGCACAAGTATAGTGGGGGAAATCTTGAA
ACTGGGGCTGACAGATTTTAGCTAACTTTCACAGGCATGTGTAGATATTGACAAATCTT
AAGTTTCAGAGTGACCTCATCTCCCCAAAATTTCTTAAACCATGCCTTTACAAACAAG
TATTTCTATTCTAATGATGTCTTCTGAGTAAAATGTTGAATCACTCAAAGGACACAGAT
CAAAAGACAGAGGGAGAAAAAAAATGCCATGTGGGAGGGGCAAAGCTGTATAAAACCAG
TCATTACCATGTCTGAAGTGTAACTCTCAGAGGAGCATTGCCCGTCAGACAGCAACT
CAGAGAATAACCAGAGAACAAACCAGGTATTTCAATGATTTCCATGCCATGTCTATGGGAA
>EP73190 (+) Hs SERPINA3; range -499 to 100.

GAGGCTGAGGCGAAAGTTGCTTGAACCCGGGAGTCAGAGGTTGCAGTGAGCTGAGATCA
CGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCAACAAAGCAAGACTCTGTCTCAAAATAAAAAATAAAAA
ATAAAAAAGAAATAAAAAAGAAATATACCAAAATGTTAGCTGGGGTCTTCTCTGGGTAGTA
AAGTGCTGGGGGATATTTTCAAAGTCCTTCTTTACATTCTCTGAGTTTTTCCATGTTCT
TCAATGAGTATTTAATAAGCAGATAAAAACTAATAACAACAAAGATTTTTTCTGTGTGCT

TTTTTGACCTTTGGAGGAAGAGATTAGAGCTAGTCCCATAACCAGGTTATTTGAGTAGGT
CTAACCAAGCCCGTATTACCAGAAATTATCATCTGGTCATTTCCAGTCCGAGAACAGAACA
CTTGGTTGCTCTGGCATTTCCTCAAGCAGGGGGAGGAGTTCTCTGCAGGAATAAATAAGCC
TCAGCATTTCATGAAAATCCACTACTCCAGACAGACGGCTTTGGAATCCACCAGCTACATC
CAGCTCCCTGAGGCAGGTAATCCATGATGTTTTACATCTGGGAGCGGAGGAATCTGTTT
>EP73191 (+) Hs ATP6V1C1; range -499 to 100.

GCGCTTTTCGTGGCAAGGAGTGATTCTCTCCAGTAGGCAATCCTAAGAACGAGCGCAGTGC
TTGGCGCACAGTAAATGCTCCATGGACCATTATGAAATTAAGTCTAAGTGGACTTCAGG
AAAATGTGAATCTGCTAAAATGAACTACTAGCCAGTATACTAGGTAGAAAACCCAGCTGA
CGAAGAAAACCCCAAGTGGAGAAGCCCTTGTAGGGGGTTGGAGACAATTTCTGACCCGCA
GAAACCTGCAGTGGCGCTGACGTTTACAAGTGGTGGACAAAACGCCACTTGCAACACTGG
AAGAAGCGGAAAAACCCCACTCTGGAACAACAGCGATCAGCCCCGAATATAGGGTCC
CCTTGCCGCCCGTAGCCTCCTAGTCCCGCCCTCTCCAAGGCCCGGAGTGGCAGCGG
CTGCGGCTGCGCAGTGGCGCGGGCGTAGGCGGAGCAGCGCGCGCGGTCAGCTGACTG
CTGGGCTGGCACGTGACTTGTCTGTGTTTCGCTTGGGTAGAGGAAGCCGTGAGGCCGGAG
CTTAGTTCGGGAAGGGATGGATCGCTGAGCCGATAGCGTCCGCTAGGCTGTCTGCCTCGG
>EP73192 (+) Hs SERPIND1; range -499 to 100.

ATTTTGTCTCTCTCTCCACCTTTCTACTGAGGAACGAGCTCTTGAAGGACAGGGACAC
CCGCTAGTAGCTGAGCCAGCCACATCAGTCTGGAGAGCAGGTGGAGGGCAGATGCTGT
GATCATCCCAGAAGAGAGGACACAGTTGGAGGCAGATGCATGGTCTCTACTTTTCAGCTAC
CCTCAATGCAGCCTGGTCCCCAGAGGCCTGAAGAGCGCCTTGTATGTGGTGACCTCAA
GAGGGGCTGCTCCTGCACCAAGGCTATGTGTGCATGCTAACACAGTAACCGTCATATACT
CAAAGTGTGAGTCTAAGAACTGGAGATGAGGAGCTGCAAGCCACTCTACAGTTATCAAA
GGCACAGCTGAGGGGGTTTGTGCTGACCAAGCTGGTTCCTGGTGTGGATTGGGACTT
ATTTACTTTGGAAAATATGCAGCAACAGCCAGCACCAAGTTCACATCAAAATCCCACT
GATGACCTTGGCTGCTTTTCATCTCTGAAGCGCCACTTCTCAGAAACACAGAGGTAAGTTG
GGTTTCTAATGTTTCTGCTGATTATAAATTATTTTGGTGTTCACGGATAGGCAACTGGT
>EP73193 (+) Hs RGS4; range -499 to 100.

CCGCAATCACTGCGTGGAGACGATGATCTGCCAGTCCCTTTTGGAAATCGTGAGGAT
CAGATCTTGGACCATGTATAATATGATGCTTCTAATCCAAAAGAGGAAAGGCATTGGGAG
TCAGCTCCTAAGTAAGCTCCAGAATTCCTGCTGGTACTTTTCTTCCAGGAAGCAACTTC
CTTGATATTTTTTTTACAGGCATATGAATAAAACTATATTTTGCAGCATTGTACACT
TTTTTTCTTTTCTAGAAATCTAAACCTCTGACATTGGTGGAGACATTGAGTACATTTT
TTCCCATATCCCTACTTTTTCAGAAGGATTTTCTCTGCTCGTTTCACTTAACATTGCTGATG
CGTCAGTCTTTTCTTCTCATCTCTTTTCAGGGGCTGGAGAGGCAGAGGGAGACAGAGGAG
CTGGTACTGCAGAGCGGTCTGCTGATTGGCTGGACGGTCGTAGCTGGGCTATAAAAGAGA
CCCCTACAGGCTTAGCAGGAAGACGCTCAGAGGATTCTGACAATATCTTTACCGGAGAAG
AGGCAAGTACGCTCAAAGCCGAAGCCACAGCTCCTCCTGCCGCAATTTCTTCTGCTTG
>EP73194 (+) Hs MAG; range -499 to 100.

TGGATTGAGAATATCCAAGACGAAGCTTCTGGCCTGGTGGAGGTACGTTCTCATGAAAG
GAGTTGGTGAACACGGAAGGTCAATTCAGATGGCAAGAGGAGGTGACACTGACGTTGAGG
GTGGAAAGGACCTGTCTCCTCTGCTGCCACCTAATGTTGCCACCAAGATTCCCTGAGG
ACAATGCCTCTGTCCCTCAGCCTGGGACTTCCAAAGAGATTAGACTGCCCCCACCCTCC
GGGACCCAGAATCAGGGTGTACAGGGATGGAAGATGGGGAGAGAGCAAGGCAGCCACTCC
CGACCCCTCCAGGAAGAGCTAGGAGAACCAGGCGTCAGGCTGCCAGTCCGAGCCCCG
TGGTGACAAGGGCCCCCTTGTGCCCCCTCCCCGGGGGTAGGGAGGAGCTGGGCCCTGG
AGGCAGGCGGGCCCTGGCACCCAGGGGGAGGGGAGGGGCTGGCAAGTGGGGGCTAGACC
CTGGAAGGCAGGGGACTGCGAGCTGGGCTGGCGGAGCAGAGGTGCAGAAGCAACTGAGTC
CAAGTGAGTATGGTGGCAGGGAGGCCAGGGCAAGGGGAGCAGGGCACCGGGCAGTGGCA
>EP73195 (+) Hs SFRS6; range -499 to 100.

GCAAGACCTCGCGCGCGATCCTCAGATTCTGCGAAACAAGACAAGCGACTGGGTCCGAG
ACCGCGGTCCCCATCAAAACGAGCATCAACCAATCGTGGGAGAAATCCGAGCCTCGTT
TTAAGCCACCAAGCAGAGACCGCGGCGACCTATTATGATAACCTCGAGAACCAATGAAAA
ACGGGGATTCTGCTCAGCCCGCTCCCGAGCTTCAACCCGAAGAGATCGCGCACAGTTTT
ATAAAAGGTACAAATTAGAAAGCAGTTCTGCGGCTGGATTAGAGACATTGTGTTTTCAA
GACGGTGGGGAGGGCTAGAGAAAAATCCTAGAAGCTAGCAAGACCGCACTACACCGAAAC
GTCGCGGGCAACGGACTCGCCAGTCACCATCTAGCCAGGGACGACGCGGGACGGACGTG
CCGCTGCGCGCTGACATCACGCTCCAGGCCCGCCCCACCGGCCGCCATATAGCGAAAG
CCTGGCGCGCGCGCGGCCATTGTGTGGCTGGACTCGGCCGCCCTGTGGTGTGAGGCGC
GTGTTTCGGGCTCTTGCCGTCCCCGCACCCGCACCGCGGTTACTGGCTTGGGTCGCGCT
>EP73196 (+) Hs EBNA1BP2; range -499 to 100.

ACATGCAGCGTCTGAGCTACCACGGCTGACATGATCTCCCGCCAAACAGTTCTGCTGAAG
ACCAAGGCAGCGCTTCAGAGTGGAGAGCACCGCCCCGCTCCGACCCCGCCCCGGCCCCG
ACTCGCCCTCCCCGCCCTTTGCTCCTCCCTTGTCTCTCCCTTTCTCCTCCCTTTGTCC
CTCCCCCTTCCCTCCCTTTGTCCTCCCTTTCCCTCCCCCGGGTCTCCTCCGCGC

CACCCACCCCGCGGCTCCTTTTTCTGCCTTTTCTTTGTACCTCACTGCTACCAGCT
CCTTCTGGCGACCCCAAGGTACCCCTCCACCTTTCGTTTCTCTCTGGGTCAGCAGACC
ACGCATGTATCCAGAGGCGCTACCTGTAGGGATCCTAAGCAACCCGGACACTTTCAAACG
CCGTAGCGGTTCTATAGCAACGACAAACCGGAAGTATGGTTTGCCGCCGGAAGCGGAAG
TCCCAATCAAAAGTTGAGCAGTAGCTGTGAGTTGCTGGCGCTGGAGCGATTTCGGTGGCAC
GTGGAGCCACGCGTGGGAGTAGGGGGCTGAAGGCAGGCAGCAGCGGCCAGGGCCGCCCT
>EP73197 (+) Hs MCP; range -499 to 100.

CCAAATACCAAGTAAGGGCCAGGCAGTCTGACAGCCTGCAGTGCCCCAGGATAAACT
AACCTGAGGGGTGCTAGCCACGGTGACCCCTGTCTAGACTCTGGATCTCTATTTTA
GGTCGAAGTGCTTTATTCTTACTCCCGAATTCGCCGAACTATTACCAAAGCAGCTTAG
TTTTCTCTCCACCTGCCTGGGTCAAAATATGACGGCGAGCCAGTCTTTCCCGCAGGA
CGCCTCAGGCTTCCGGGATGGTAGGCCAAGGGCTTAGCAAGAAAAAGGCGGCCTCGGGG
AACCTGTTCTGTTAGGTTCCGCCAGGGCTCCCCCTGACCTCTCGAAGGCCAAGGGCTGC
CCATGAACGCCGAGGCTCCGCCCCGCGGCCCGCGATTGGCCCCAGCCGCCCTGGTGACT
CGACGCACTTCCGCCCCGGGCGCGGCTCGGGCCACGCCACCTGTCCTGCAGCACTGGAT
GCTTTGTGAGTTGGGGATTGTTGCGTCCCATATCTGGACCCAGAAGGGACTTCCCTGCTC
GGCTGGCTCTCGGTTTCTGCTTTTCTCCGGAGAAATAACAGCTCTTCCGCGCCGCGC
>EP73198 (+) Hs HLA C; range -499 to 100.

AGGGGAGAGGTAAGTTTCTTTTATTTTGCTGGATGTAGTTTAATTACCTGAGGTGAGG
TAAGGTAAGGCAAGGGTGGGAGGCAGGGAGTCCAGTTCAGGGACGGGGATTCCAGGAGG
AGAAGTGAAGGGGAAGGGGCTGGGCGCAGCCTTGGGGTCTCTCCCTGGTTTCCACAGACA
GATCCTTGTCCAGGACTCAGGCACACAGTGTGACAAAGATGCTTGGTGTAGGAGAAGAGG
GATCAGGACGAAGTCCAGGTCCCGGGCGGGGCTCTCAGGGTCTCAGGCTCCAAGGGCCG
TGCTGCAATTGGGAGGCGCCGCGTTGGGGATTCTCCACTCCCCTGAGTTTCACTTCTCC
CAACCTGCGTCGGGTCCTTCTTCTGAATACTCATGACGCGTCCCAATTCCCACTCCCA
TTGGGTGTCGGGTCTAGAGAAGCCAATACGCGTCTCCGAGTCCCGGTCTAAAGTCCC
CAGTCACCCACCCGAGCTCACATTCTCCCCAGAGGCCGAGATGCGGGTCATGGCGCCCCG
AGCCCTCCTCCTGCTGCTCTCGGGAGGCCTGGCCCTGACCGAGACCTGGGCTGTGAGTG
>EP73199 (+) Hs CTRC; range -499 to 100.

CCAGCCTGGGTGACAGAGCAAGATCCTGTCTCAAAAAATAAATAAAATACAAAAGATTA
ACCTGGCGTGGTGGCAGGCGCTGTAGTCCAGCTACACAGGGGGCTAAGGCACGAGAAT
CGTTTGAGCCCGGAGGTGGAGGTTGCAGTGAGCTGAGACTGTGCCACTGCATTTTCAGCC
TGGGCAACAGAGCAAGACTCCATCTCCAAATAAATAAATAAATAGTATAAGGTAGGGAGA
GAGAATGAACACACACAGTCAACAGAGTGGGGTGGGGGATGCCAAAAAGCACTGCAACTC
AGAATTTTCTGTTTCAGGATATTTGAAAAATCCATACTTCTAAGAAAGCCCTGTCTCCTG
CCCAAATTAACAGTAACCAACCAAGGTGAGGAAAGGGCCTTATCAGAGCAGGTTTCTC
TCCAAGGGGCGGTTTGGCCTTGACCAGGTGCACTCACCTGCTCCTGCCTATAAGTGTGCC
CCAGCCCATCCCGATGGTCAGCCAGTCTGAGCACCTAACCATGTTGGGCATCACTGTCC
TCGCTGCGCTCTTGGCCTGTGGTAAGCGGTGGGGTGGGGCTGCAGCTAGCAGGCTGTGAG
>EP73200 (+) Hs NR1H2; range -499 to 100.

ACTTGGGAGGGTGAGGCAAGAGAATCTCTTGAACCCAGGACGCAGAGGCTGGAGTGAGCT
GAGATCACACCACTGCACTCCAGTCTGGGGTGACAGAGTGAGACCTCTCAAATAAAATAA
ATAAAAAATAAATAAACTAACAGCAGCAGACTCCAAAATCAGAAAACCTTGTAACGACC
AAAAAAGTGAAACGTGCCTTAAATCAGTCATGTGCGACAAGCAGCTATAGCTAGGGTTT
GGCCGCGAGGCTCAGAGAAGCGCATGAATGAGCTAAAGCCACAAAGCGCGGGGCTGGAGGT
TTGGCTCCCAAGAAGCGAGGAAATGGGTTCGGAACCTTCTGCCAAGTCCCAGTAGATCT
ACCCGGTAAACTTCCGGTGAGTTTCAAACCTCCGTGCGGGGCGAGCAGTTCGGCTGGTCC
TAAGCGGACCGGAAGTTCGTCAAGTTTACGCTCCGCCCTCTTCCGGACGTGACGCAAG
GGCGGGGTTGCCGAAGAAGTGCGCAAGTTACTTTTGAGGGTATTTGAGTAGCGGCGGTG
TGTCAGGGGCTAAAGAGGAGGACGAAGAAAGCAGAGCAAGGGAACCCAGGTAGGTGCAC
>EP73201 (+) Hs RIC; range -499 to 100.

GAAGCACAGCCCTGTGACGCGCTCGTGTCTTTTGTTCCTTGTCCTTCCCTTCCCTCT
GGAACATAAGCTCCACAAAGCGAGGACCTGGGAATCCCGTTTCGCTGCATTCCCAGCA
AACGCCTAACGAACCAATGGCCAGGACTGAAAATTCCTTTCACCTTCGGCTTTCCTCT
CTACATCCCATCGGTTCTGTGGAGCTCAGGGGCGTCACTGTGTGTGTGGCAGGGCACGG
TGGGGGCTGAGATCGTTTCTGTGGAACCTCTGGCCCAAGAAGCGCGGGTCACAAGGAG
AGGGGTCAGTTCGGTTCAGAGCAGCTCAGCCCTCGACTCGGGTCTTAAACCTCCGAGC
CGCCAGTTCTGCCTCAGGCCGCGCCCCCTTAAAGCGCCACCAGACGCTGCGCCCCGTAA
AGCGCCACCAGACGCGCGCCCCGTCCCGGCTCCCGCGCGCTGGCGCGGGGCTTCTCT
GGGCCAGGGCGGGGCGGCGAACTGCGGCCGGAACGGCTGAGGAAGGGCCCGTCCCGCC
TTCCCCGGCGGCCATGGAGCCCCGGGCGGTTGCAGAAGCCGTGGAGACGGGTGAGGAGG
>EP73202 (+) Hs IK; range -499 to 100.

TCCCTGCGGGGCCGAGAGAGCGCCGCGGTGCTGTGGGCGGGGGCTTCCCTCAACTTCA
GGGAGGTCGAGGTCTGTGACCTGGCGTCCCGAAGCCCGCCGCTCACCACGCCGCGCT
CACCTGACGCCCTGGCTGCCGGGCGAGCGCTGACATAAGTGAGTGCGAATCTCACGCAGG

CCCAGCTTTGCCCGACTCCTCGACTTGCTGCGGCCGCCCATCCTTGTTAATATCGAA
GTCGCCAATTCCAGGTCTTCAAGGCCAAGTGTCCGGTCTGACCAACCGCGGACCCTAAAG
CCTAGCCCATAGGCTGCATGAGGCAGGGGCGGGGTAAAGCTTGCCAATGATATAAAAGT
ATTGTAGGACCGCTGCGAGGTCAATTTCTTTGCGCTCGGGGTGGTGGAGGGAAAAACA
GGAAGCGGAAAGGCTGCGAACGCAAGCAGTGTGGGTGATTCTGAGGTGCACTGTGGGA
AAGAGCTTGTGCTGCGGTGTGCTGTTGGAGACTCGATTGTTGGTGACAGCGAAAGAAC
GATAACAAAATGCCGAGCGAGATAGTAAGGCTCAGGCCATCCGTTATTTCTTCCCCATG
>EP73203 (+) Hs PSAP; range -499 to 100.

ACTACTTATTCTATGTGAAACCCCAAGCTATTCTATGTGAAACCCGCTACTACAATGGGC
TAATTTTTTTTGTATTTTTTTTTTTGTAGAGATGGGGTTTACCACGTTGCCAGGCTAGT
CTTGAACCTCCGCCCGCCTCGGCCTCCCAAGTGTGGGATTACAGGCGTCAGCCACCGC
GGCCGGCCAACAATGTGGAGATTTAAAAGGTATTTTACATATATAATCTCTGACCTATTC
AATTAGTAGGGCTTTTCTTTTATGACCTTTCCCTTCCCTTTCTCCAAGTTCTTCCTCACT
CCTCCCCATAGCCCTTCTTTTGCCTTCCATTGCCCTTCTATTGGCCTCCCCTTCG
CGCAGGCGCCCTCAGAGGCGCTGAGTCAGGCGCTGTTGAGCTCGGGCAGGCCGGATGG
GGCGGGTTAGCGCTGCGCTCTGGACGGCTTTGGGCGAGGCAGATTTATATCTGCGGG
GGATCAGCTGACGCTCGCATTCAGACTGCGAGTCAGGAGTCAGACGGCGCTATGTACGCCCTCT
TCCTCCTGGCCAGCCTCCTGGCGCGGGTAAGCCCTGGGACCCTCATCTGGGGAGGAGG
>EP73205 (+) Hs LPXN; range -499 to 100.

GCATGAATCCACTTCTGCCCTACTTTTAAAGGATTTACGTTCCATGCAGGAAAGCAGATAA
CCATAATTTCTGAATAAATAAGACAACAAAATGAAATGGATGCTGGTCAACTCTGATGCA
AATTTTAAGAAGGAGACTATGCCTCTGTGTCTCCAGCTTCACAGAAAAAAGAA
AAAAGAAAGATGCTCAGAGTGGGTACCTACACTTGGAAAAACGCAAGTATAAGTCTGC
CATTCCCATGAATCCAAGATGAATCCTGGCACAGAGTAGGTCTCAAATTTTGCAAATTT
AATTTTGAATCTTTATCACCTGGCCAATGCACTGCCATAATGCAAATCTTACTATCTAC
CTTTCTATGTGACGTACATTTTTAAACTGTGTAACCTATGAAAAAAGCTCA
CCAAATCAAAAGAGAGGAAGTGCTAAGCAAATACAGGAACCAAAAGGTTTATAGAGGCT
GCCTTATGCTGTCTCATCCAGTTCCTTTGCGGTCTCTTCTCAGCACATGCCAAAGCTG
TTCCTCACGGCTGTGAGACAAGAGCATCTTGATGTAGGACAATGGAAGAGTTAGGTGA
>EP73206 (+) Hs FLJ22965; range -499 to 100.

CACCCAATTACACATTTTAAAGGGTGAATTTATGTTACGTGAATTATCAACTAAAA
AATAAGATACCTAAAAAATTATGTACTCATCTGGAATAGTCATTAAATCACAATCATAT
TTAGAAACACACCCAAATCAGTATCATATATATATATATATATAAATAAACTATA
TAATGCATAGTCCCTTATTTAGCTGGTCTTATATATACATATGTGTATATACATATAA
ATGCATGCGTTATAGAAATGTAAAGAATTTATATAATATTAAGGGTGTGTGAGAAAGCC
CACCAATCTTCATTGAGAAGTGAATCCAGATCACAGGAGTCCAGCTAACTTGGCCAAG
ACAAAGTAGGTTCTGGGAGGCTCCAGGCGCACCCCGTATATCTTAGCCTGATAGGACAG
CCCGGAAGTTTATAAGACTTCTGCTAACACGTGACCAGCGTAGCCACAAGGAAAAGGTGC
AAGGCGCACTCGTGACGTCAATTCGGGGCGACCCTCTTCTTGGCGTAGAGTTTCAGATT
GCTCTTGGGAATCATGCCGAAAGTAGTGTCTCGGTGAGTAGTCTGCTCTGACACTCGGGA
>EP73207 (+) Hs RPL22; range -499 to 100.

CTGGGAGACAGCCCTGGGCATGAGCTTCCAAGCTGGGGCTTTTGTAGGAAGCCATAGTG
GTCTGGCATTGGGACCTCTGAACGAAATTTCCCGGTGGGTACAAGGAATTTCCCACTTC
CCCAAATTAGTAGATTCGATTTCCATCCCACTAGCTGGTAATTTACAGTATAGTGAATTT
CCTTATTTCTTTTTCTTCCCAAGACTTTCAAAAAGTAAAGCCAACCCCTTTATTTATCT
TTGGGCTCGTCCAGTCTGGCTTCCCCCTCCGATCGTTGCGAGTGGGACAGCCCGCGGG
CCTCCTTCTTCCCCAGAAACCTCCAGGCTGGGAGAGGACGCGTTTTGCATTAGGAA
AAACCAATCGTCCCCATCGTACATAACCAAGAGAAAAGGTGGCGGACGAGGGGCGTGG
CAAAGTGATTAGTGGGCTGGACCTGCGTGCCTTGGCGCTGCGGGCTCTTTGCGTCT
GCGTAGTTCGCTCACCTCCCTTTCTAACTCCGCTGCCGCATGGCTCCTGTGGTTAGTAT
GGCTCCGCGTAGAGGCTCGGCTCCAGGGGAGGCACGTGGGCTCGCCGAGCCCGGCATCT
>EP73208 (+) Hs RPL32; range -499 to 100.

TCCACATATGCAAAATGGAGACAATAATAGGGGTACGTTATAGAATTGTGGTAGGCATAG
TGAATCCATCGCATGTTAGCTGTTTCTGTTACTATTTACTGTCTAAATTCGGTGATGAA
ATTATTAGGAAGTCTCTGTCTTGTCTTCTGACCACTAAGAGGCGCACTTCGGAGTAG
AAGAAACGCGGGCGGAAATAGCCAAAAGCGGATTGGCTTCGACTTCTGGCGGAAGTAAA
TTCCTCCCTCCACCAGGTCTTATTAGCTCAGAAAGAATTCAAATTTCTACGTAGTCCCA
AGGATAGGTAGAATACATTTCTCAGTCCTATTCCTAGTTATTATTGTCTATTAACATG
TATACTCAGAATTTTTGCGGCATTATTTTTGACGTGTCTTTATTTTAAAAAGAGCC
GGAGCCGGAAGTGCTTGCCTTTTCCCTGCTAGGACCCAGGGGTACGACCCATCAGCCC
TTGCGCGCCACCGTCCCTTCTCTTCTCCTGCGCTGCCACGGAGGTGGCAGCCATCTC
CTTCTCGGTAAGTGTTAATCCGTGGCAATCCGATTCCTGCGGGATTCTGCCCCGT
>EP73209 (+) Hs DRG2; range -499 to 100.

TTCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCCCGGCCAAAACATTGAGGGTTT
TTTTGGCGATTTTTTTTAAAGCTCATCAGCTATCGTTAGTGTGGTGTATTTTACGTGTG

GCCCAAGACAATTCTTCCAATGTGGCCAGAGAAGCCAAAAGATTGGACACCTCCATTTA
TAGTATAAAATGAAAGCCACTAGGCTTTTCGGCTCAGCCCTTTTCCTTACACTGCCAGTC
AGTGCGCTCAGGGACCCGAGTTTCAAGTTCACACGGGCAGATTCCCTCTCTTCCTTG
CTTGCTCCTGCCAGCCGAGCCGTGGGCCAGTACAGCATGGCCCGGCCCGCCCGGCTC
TTTCCAGAGGTCGCGAGCTGGCCGGCCAGCGGGCGGAACCGATAGTGTCTGGCACTTG
GCTCGCCCGACTCTGAATCTGGAGCACCAGGCGCCACGAGAACGCTGTTCTCTTTGG
CTTCCGGGCGCACGCTACTCTGTGCGCCGCGTCAGACCGGAATTGCCGGTGCCGCCGCCA
CCGCTGTCTGTGCGCCACCTCTGCTGCTACCATGGGGATCTTAGAGAAGATCTCGGAGA
>EP73210 (+) Hs SLC31A1; range -499 to 100.

CCCGGAAGTTGGGAAAAGGCTGAGAAGAGATCGACCCCTCCAACAATCCGCCGGTAT
CTCTCAGCCACGCCCTCCAGCGCATACTTCTCAGTCACTCACCCGCCGCTCGGCGAGAGG
AAATCGGTGTCTCCTCGTCCCCCGACCGAACATTGCGTTGGCTTTCACCGGGTTGCGG
GGAGGAAGCTGGGTATTCCAGAGTCCCAGGGCCTGTACCCGCCGACGTCTGTAATGCC
GCGGCGGCGTGTCTTTCCGGCAGGGCGAACTCCAGCACGGTCTCTGGACCGAAAGTAG
ACTGGGCTCTGGAGAAGGTGGGGCAAAGGCAAATGAGAGGCTCGCGCGGGCACGAGCGCC
GAGTGACGTACAGGCTCTCCAGCCCGCAGCGGGGCGGAGCTTACAGCCCTTGCAGGGA
TTGGTCGGTAATGCTAGGGGGCGGGAGGGGGCGGGAATCTCGGCCCTCGGTGGCGGTGG
TGGACACGTGAGCCGGGTAGAAGTGGAGGGGCGGCTTGAAGAGTCGTGAGGGGGTGACG
GGTTAAGATTCCGAGAGAGAGGTGCTAGTGGCTGGACTTGACCTGGAAAGGTAAGGCTTC
>EP73211 (+) Hs DHRS6; range -499 to 100.

GCCACTAAATGTGCATTAGTGTTAGAATATTCTGAGCATGAAAAAATAAAATCACAACT
GTATCTCAAACAAAAGGATTTTTTTTTTTATTTCTCTCCCTTAAACAATCCAGGCCAA
GTGACAGGAAGGCTCCAGAATTTTCAGTGACCTGGGTTCCTCTATTTTGTGCTCTGCT
ATCTTCCACACGCGAGTTTCCAGCTCAGCCAATCTCGTCTACCCTGGCACCGCATATAGTA
GGCATAAACAACAGAGAAGTGAGAGACTGAAGTGAAGGAAATGATTTCCGCATCCTA
AGTAAGCTCTAAGGTGCTTTTCCACTTTTACCTTCCACTTGGAATTCATAGTTCTACCT
GAATTCCTACTAGATGGCAGCACATACATTTATAAAGTGTATGGATGGAGCCACTAAACTC
TGAAAGCAGGGAAACTACAAATCCCAGCATGCATTATTAAGCGCTTGACTTGCTTCCAGA
CAAAGGTTGTCTCAAGTTTGTGCTCAAACCGAGTTCTGGAGAACGCCATCAGCTCGCTG
CTTAAAGTAAGATTTCTAATACTTTTGAATGAACTTTAGAACGGAAAGAGGGGAGGT
>EP73212 (+) Hs HNOEL; range -499 to 100.

CAAGGTGGCGCCAATGAGCTTTAGAATAAGTTGGGCTTGACCACTTGGGCCATTGTTTTCT
CTGCTTCCCTCCCTTCAAGCTCACCTCCCAGCTCCCAGCTTCTACTGAACAAGGCTGAA
AACCCACTCTATTGCAAGGAAAGGAAAGATTAATGAAAAATGTAGTTTCTTAAGTCAG
CACTGGTGAAACTTTTCTAAAACAGGAATGGCGTTTGCTGAGTTTTCTTGGGTCTCTG
CTTTCTGCAGCTAGCTTCCCTGCTTGACTGCCTAGAAGGCCTCTGCTTTCGGGTTTCCAT
CTCTTTCCTCCAGAGGACCTACAGCCTAGGCGGGAGGTGGTTAAGGCTTCTGGCTGC
TGTGCAATGGGGCCATCTGTGTTTGATCAATCCTGGCGGAAAGGAGGGGGTGGGGTGT
AAAGAGAAGTGAAGCATTCCAGAGTAGTGAGAGAGACCCAGAGATCAGGAGAGAAGGCA
CCGCCCCACCCCGCTCCAAAGCTAACCTCGGGCTTGAGGGGAAGAGGCTGACTGTAC
GTTCTTCTACTCTGGCACCCTCTCCAGGCTGCCATGGGGCCAGCACCCCTCTCCTCA
>EP73213 (+) Hs TOMM22; range -499 to 100.

AAGTGTTGTCTTGAGCCTGTTGTAAATTTAAGAATAAACTTTTGTAAAAAATAAATA
CAGTGCTCATCATCTCTTGAGTTGTTTTCACTCAGCCACTCTACCTTAGCTGTGAACT
TAAAGTAAAACAAGCCCCAGAATCTTGCCAGAGTCAGCCCTTTGATCTTTGTTCTCCCC
TGAAGTCTATTACCTGGAATTAACAACGCATTTGAAAAAAGAAAAACAAGCAAGTTT
CTGAGCTCACCTATACCCGCTGAACAGAATGACTGCGGTGGCGCCCCAGAACCTCTCAC
AGGCTCTCAGCTGCTGCTAATGCCCCGCGAAGCCCCGACGCCCGGATAAGGCCAGGGCT
GCCGGACCCGCTGCGGGCACTGGAGGACCCGGGCTAGAGGGCGCCGCTCTCGCCCGGCT
CGCGCTCGGCTCCCGGAAAGGAGCTCTGTCCGCGTTGCGCTGCGCTACCTCTTTTC
CGTTCCGGTGTCCCTACAGTCATGGCTGCCGCGTCTGCTGCGGTGCAGGGGAAC
CCCAGTCCCCGGACGAATTGCTCCGAAAGGCGACGCGGAGAAGCCTGAGGAGGAGCTGG
>EP73214 (+) Hs LOC57019; range -499 to 100.

ACAGGCTCAGGTGCGTGACTTTCGTACCCCGAGCCCTCTCTGAGGCTCTGCCAACTCCA
TGAAATGGGGGTGACAGGCCCTGCCCGCTGCATCTGCCCTCACAGACAGCGGAGCAGG
GCCGAAGCTAGCCAGGCGGCTCGCCGAGCCCGCGCGGATGCCCTTACCTCACCTTGCT
CGTGGGCCGCCCAACGGCTCTTCCCCCACCCTGCAACCCAGCTGAAGCCGGCTCGC
GCCCTTCCGCGCTCCCGCTCTCCCCGGCTTGGCAGCCCCCTACCGGGCAGGCATCG
CAGCTGCAGGAGCTCCAGCCCGCCCGGCAAGCGCACACAGATAACCGCCGCCGCCAT
TTTGGAAGCGGGCACGTGCCCCACGGCGACGCGACCGGTAGCTACGGGACACGGCCCTA
AGGAGGGCGGAAGTCGTGCTCCGTGGAGCCTCTCTCTCGCGAGAGGCGCAAGGCGTG
GAGTCGACGGCTGGAGAGAAGCCGGGAGCGAGCCAGGCGGCAGGTGAGAGTGGTGGGG
CCAGCTGAGCGCCAGAGCTCCCTCAACTGTCCCTCCCGGCCACCCCTCGTTCCACATC
>EP73215 (+) Hs NFKBIA; range -499 to 100.

GAAAGCAAATCCCTACGCCAGCCATCATTTCCACTCTTGCGTTTTCAAAGATCAAAAA

ACGGAAAGGACCGGCAGGTTGGCAAACCCCAAAGAGGGACCGCCATCAGGTCGGCGTCC
TTGGGATCTCAGCAGCCGACGACCCCAATTCAAATCGATCGTGGGAAACCCAGGGAAAG
AAGGCTCACTTGCAGAGGGACAGGATTACAGGGTGCAGGCTGCAGGGAAGTACCGGGGGG
AGGGGGCCTGGTCGGAAGGACTTTCCAGCCACTCGGCGCTCATCAAAAAGTTCCCTGTCC
GTGACCCTAGTGGCTCATCGCAGGGAGTTTCTCCGATGAACCCAGCTCAGGGTTTAGGC
TTCTTTTTCCCCCTAGCAGAGGACGAAGCCAGTTCTCTTTTTCTGGTCTGACTGGCTTGG
AAATTCCTCCGAGCCTGACCCGCCCCAGAGAAATCCCAGCCAGCGTTTATAGGGCGCCG
CGGCGGCGCTGCAGAGCCACAGCAGTCCGTGCCGCCGTCCCGCCGCCAGCGCCCCAGC
GAGGAAGCAGCGCGCAGCCCCGGGCCAGCGCACCCGACGAGCGCCCGCAGCTCGTCCG
>EP73216 (+) Hs MYL6; range -499 to 100.

CTTTGGTTTTTTTCCACAGATCCAGTGGGGTCCGGACACTGGGCCCCGAGGCGAAAGCA
CGTTCCAGCCACCAGGAGGCCACCTATTGTTTCAAATAAAGACTGGGTTCCTCTCTTGG
TTTCAGACTGCTATTTTTTTCATGGTTGGGGGAGCAGCGGGAGACGGGGAGGGTGCTAGG
AGGAGAGGGCGGGAAAAGAGGGCTCTCTCTCTTCCAATCCTCTGATCTTCTGCTGTTG
GGAGGTGCAGATTCAATTGTCCCCAGCCACGTCCCCCACGACCCCCGCCCCCACCT
CCCCCACGACCCCCCCCCACCTCCGAGCGGGTCTGTGCCAGGTGGCGCTGGAGAAAGG
AACAGCGGACCCCCGCCAAGTCATTACTAATGTAGCAATCGTCTGCATAAACCCAGGCCA
CGGTTCTATTGGCTGAGTCTCTCTGAGGGTGACGTATCGGGACGTACTAAGACTAGGGT
TGGGCCGAGAGTCGGAGCCATTACTGCAGGAAAAGGTCCCGGAGAGCTGAGCAGTCAAGA
TGGTGGGGCCCAGGTCTTGGGAGACGGGCAGGATTGGGGACGAGAGGCAGGAAGAGACGG
>EP73217 (+) Hs PPIA; range -499 to 100.

CGGGGACGCGCCATCCCCATTTCGCTCGCGGAGGCGTAGGGTCCGGGCGCGGGACCCCA
GTCGACCTTGACTGGCGGCGCGACCTTGAGGCCTGCGTTGCGCTCAGTTGCCCTCTGT
GCAATGGGGAGACGCGCTCATCGTTGACAACGGCCGAAGAGCCGCGCGCTTCCGTCT
CCCGCGTGCAGCGGCCATGCTGCCCCCCCCGTTCCGCACTGACCTCCCCCGTGCCCCG
CGTCCCGTACTCGCGCCCCGCCCCGAGTCCCATGCCGACGCCACCGCGACGGAGCCCGCA
GGCGGGAACCTGCCTCCGCGCGTTAGCGCGCACGCGCGCCTCATGTGTCTGTCCTCATCAG
CGCCGGCTTCCGTCTATAGGCCAGATGCACTGTCACTCTGGCGAAGTCGACAGCCCGATT
GGCCGGGACGGAGGCGCGAGACCGGGTTGCGGGCGGGGCCGAACGTGGTATAAAAGGGGC
GGGAGGCCAGGCTCGTGCCGTTTTGCAGACGCCACCGCCGAGGAAAACCGTGTAATTA
GCCATGGTCAACCCACCGTGTCTTCGACATTGCCGTGACGGCGAGCCCTTGGGCCGC
>EP73218 (+) Hs PPP2R4; range -499 to 100.

GGCGGGGACAGAGGGGCGAGGGCGAGTCAATTGAGACCTGTGGAGGAGGAAGGAG
GAGGTCACCGTCCAGCTGTCTCTCCCTGTCCCCACATGTCTTCTAAGCTGTTGGAGGTA
GTGGTGTGCACCTTTCCAACCTCCGTCTGGTGTCTTGAAGCCTAACTCTTAGAGTGATAGG
AAAACACAACCATGTTGACCGGGGAATGTCCTCTAATATTCCTTGGGTAGGGTCAGTAC
CACCCACAAAGATGACAGGTGGTACTCCGGGACAGGAGACTGTCCGGAAAAACATGGCT
GAGCACAACCCAACTTGACGCCCCGACAATCGTGGCAGTCGCGGCGCCGACGTTCCGG
GCGGCCGTGAGCGGTCTAGCGTTGGCGGCCGTTGGCGCGCATGCGCCCCGCGCGCCCC
GCACTGACATGGCGTCGCCCCGTTCCGCGCGTCCGCCGCGCGCGGCCGTTAATAGGCT
TGCTCCCTGAGCGCCCCGACCGACATGGCGGCCGTCTTCGCTGTGGTGACTTTAACTCT
CGGTTTTCGGTTATAGCCGGCGCGCGCTCACTTGTCTTCAGGAAGCTCGGAGCCTTGGT
>EP73219 (+) Hs RPL36A; range -499 to 100.

CAATAACCATTTGTTGAATGGACCAACTGGCCATGTGATAGATGAAGTGAACAATTGGC
TCCCTCCAGGTCTTCATTGAATTAGCAGTTTGCTGCGAAAGGTGTTCCAGTGACCTTGA
GGTGAACAGGAATGGAACGTGGAGGTGGAGGACCCCTTCATTCGACCCTAGTCTGGCT
TCCCTCGGGGACGGGGAGGCCAGAGGATCTGGGAAAAACACTGCTCCCTTCACTGAACGC
CACTACGTAGCAGAGTCCACAAAAGAGATAAAGTGACGAAACGTTGAAAGCTGCGGGGC
GGGAGGAAGTCGGGTGAGTGACCAACCTTTAGGCGGAGTCTTCTCTTAAGCTCCCGCC
CGCGGCTCCGAAGTCTGAGTCTCTCAGCCGCCGAGGGCGCTGCGCTGAGCCTTACACTCT
ATGATTGCTCTACCGACTCCCATGAGGAAGTGCGATCGGGAACCTCCTATATACTTCCG
TTTGCTCGCGGTTTTCTTTCTTCCGCGCCGATAGCGCTCACGCAAGCATGGTAGGACTT
GCTGGTGGGGGCCGAGTAACATCCAGCTTAATCTTTCCCCCTTCGTCGCCCCGTGCTAT
>EP73220 (+) Hs TRAF2; range -499 to 100.

CGCCCCGCCAGGGCCCCGCGTCCCGCGCGACGCGCGCCTCGTGGGAACCGGTGTCGCC
CGGCTTGGGCTCCGGCTCACCTCTCGGGTGTGCGGCAGGGGTCTCCGCCCGGGGCCAC
GGGAGGGGAAGCAAGGGCCTCGCTGTCTCGCCGCACCTGGGGAAGGGACCCAATTAGCGC
GGACCCACAGCGCAGCACCTACCAGTCCCCGCACCAACGCCCGGCGCGCTCTTTGA
GGAAAAAGCAGAGGGGCGACTTAGGTACCCACGCCGTCTCAGCGCCGACCAATCGGCGCAC
GCTGCGGCTCTGCGGGCTCGCTGGTTGGTCCGGCGTCAGTCCGTACGGCGCGCTCGGA
GCGGGGCGTATCTGGCCAATGGCTCTCGCTACAGCTTCTGAGGGCTGGCTGGTTGGCTC
CCATGTCCGTCCGTAGGCGCACGCGCGGAGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCTTGGGGG
GGTAGCTGGGCGGGCCCTTAGTTCGGGCGCGCTGCGACCGTTGGGTGAGGCGAGCGCGG
GGTCGGGTGCGGGGTGCGGCGCGGCGCGGGTGGGTGCGGGTGGGCGCGGGGTGCGG
>EP73221 (+) Hs PSA1; range -499 to 100.

GGGGGGTGTCTAGAAAAGTTTGGTAGATTAGTGAAGTGGTGGTTCTGGAACAAATACATCA
CAGCCCAAAGTGGGGGCTGGTGGTGGAGAGTGGGTGGATGGGGGCTACAAATCTGCTCG
GCAACTGCCCTTTCAGCCAAGAGAGAGGAGCTGAGGTCTCTGGGGTTGGAGGACTGGAA
CCGGCCAGATTGCGGGCTCAAGGGGCGAAGGCAGGTTGGCAGGGGAGCCTCTTCCCGCC
GCCACAATCTCGGGCGGGCGCGAGCCGAGCCGGCTCGGCTGGCTGGCGCAATCTCGC
GCGCTCCTTGCAATTGATCAAAAATGGGGTTGAAACAGTAAACGCGAGGAGGAGCAACTG
CTTCGACTCGGCTCAGAAGCGCGACCAATGGGGATGTGAGCTCCTTCGCGCAACCAATT
AGCGCAGGGCTGCGACAGCACGGGCAATGGGGCGCCGACTCGGCGCAGGAACAAGGCG
GGGGTTTCGGGGCCGGCTGCAGACTCTACCGCAGCGGCCAGGAACGCCAGCCGTTACGCG
GTTTCGGTCTCTTGGCTGACTACCGCCCTGGCCGCCGACCATGGACGCCCCCAGGCA
>EP73222 (+) Hs LOC57862; range -499 to 100.

CGGAACCCAGACTCACTGCATACCCCGTCCCGTATATAATGCAAACTTGATTCTGCAAG
TTCCTTTCTCGGGCGGTGAACTTCAAGGTCTCTCCATGGAGACCTTTGATAAATGTT
TAAGCAGTGATCTTTTCTTCGCGTTTGCTCCATTGCAACGCCTCCGCTGATGGGAAAA
ACTACTCCCTCCGCTACTGCGGGGTGGCAGTGACGTCAACGAATTAGCTGACCTGTTTTT
TCGGGCTTCGCGGACATAGGAGTCCCGAAGGCCGAGAGTGAGTGAGTGAGTGGGAGCGGG
GCGGCTCAGGCTCCTCTGTCGGGCGGAGCCCTGCGTCGCGGGCCTGGGGAGGCCCCG
CCAGCACCTTGACGTCTGGGTCCCGAGCAGTGCGGCAGCCACACACTGAGGCGAGC
GAGTGGGTGTGTGCGTGGGGGTGAGCCAACTTCTGTCCCGCGCTCGAGCTGCTTCCG
GCGGGAGCCGGAAGACGCTGTGTGTGGACGGAATTGCGGACCGACTGACGGCCGGCCGGC
TTCCCGAACTGGAAGGTGAGCTCCGAGGTGGGCTGGCCACCCCTCTCGGTTAGGTAG
>EP73223 (+) Hs SQRDL; range -499 to 100.

TGTGAAATGAGCGCGGAATACCTGTGTTTCTGGGCAGCTGTGTGAACCCGGTGAGAAGC
CCAGGGCACATAGGAGGACCCAGTGGGAACAGCCAGAGCCTCTCTGCACAGCGCCCCGCC
TCCGCTTTTGCCTGCCCTGATTACAAAACGCTGTTGGCACCCAGGGGCGGAAGCGTCAGG
TGGCCTCGGTGTCTCCGCTGTGCGCCCCAGCCTGCGGGGCCGCCCTTCAGGGCGCGCA
AGGGGCGAGTCTGTCCAGCCGGCAGCACCCAGGCCGGATGGACGCTTGTTCCTGGTTCT
GTGCCCCGTGAGCGCTCAACGCCCTGGTGTGTTCACTGACCATGGTGCCTGGGCTGCGGC
GCCGGGCGGGGACGGCGGGGACTTTTCGGGACCTTCTTGGGGGAGCCTCGCTTCCCC
GCCTCCAGCTCCGCCCCGATGGCAGGCGGGCGGGGCCCCAGTCCAGGCCTTGAGACCCA
GAAGGGAGCGAAGGTTTTGCTGCGCCAACGCAAGTACCGAAGGCTCCGCTCACGCCCGG
GTAAGAGGCATCCGCGCCGATCTTTGGCCCTGGGCCAGCGAGGGAGACTGGGCGGGGA
>EP73224 (+) Hs MASA; range -499 to 100.

CTCCGGGCGAGCGCAGCGCGGGCGCCTCTTCCACTGTGACCAGGGCGCGGGGCCAAGGG
GGCGCGGGGGGCTCCCGGGCTGATCGGCCGAAGCCCGGGGCCCGCGCGGCCTCTGGCG
GGCTGACGCCGGGAGGAGGGGCGGGGGCTGGCCAGATGACTGTATCTATGCAAAGGCGGA
GGCGGTGGGCGGGGAGGGGGCTGGATTAGTAGAGGGCAAGGGGCACTCACATCCCCGGC
GCGCCACTCGCGGGGCTCCTTCTGCACGTGCCCCGGGCTCTCCGCTCGCTCAACCTG
TCTGCGGAGGGCGCGCTCTCGCGCACCTGCTCCCGCTTCGCTTCTTTGTTCCCGCCA
CGCGAGGCCCCATTTGACGGATCCAGTTTCGAGGCCTGACGGCGGCCAATCGGCGCTGGCG
CCTTACCCCTCCCCGCCCCGCGAACCCGTCAAGGGCGCCCCCTTTCTGCCCACGTGG
TCTCGGGCTCTGCCCCGTCTGCTCACGAGTTAGGGCTCCTGGGCGGCGCGCTTTTCC
AGTTCCAGGTGTGAGAAGTGTCTCTCCACGCGCGGGGCTGCACTTGGTCTGCTGG
>EP73225 (+) Hs RISC; range -499 to 100.

TCATATTTCCAAACGTTTATAACATACATAACTTTAAAGAAAAATAATTTAAAAATA
CATATCTGAAATGAAACCCCGCTGTTTGCCAACGACGAGCTGGCTTAATCTGACTTCGC
AGATGTAGCAGTGTTGGAAACGTCGGTTCTTTGCTGAGGGAAGGAAGAGATGGGAGGG
GTAGAAAGGGCGGTGGTTATTCCTTTAGTATTTGATCCGGTCACACAACCTAAATCCA
ACATCTGCATCAATGTCTCTTTCGAAATACTCTCCCTAAATGACAGAGAACCTGGC
CAGGCGGACAGAACGCCCCCTGCGCATTTGACAGGGTCTGGTGGGCTTGCCGGGCGAGAG
GGCGTGCGGGTCTCAGCAAGTGCCGGGTCCGCCCAGGCCCCGCCCATGCCATTACAGG
CCCCGCCCCGACCCGAGGCCCCGCCCCGACCCGCCCCGTCCGCTCCGTACGTGAT
GGGGCGCGGGTCCAGCCTGTTGCTGATGCTGCCGTGCGGTACTTGTATGGAGCTGGCA
CTGCGGCGCTCTCCGTCGCCGCGGTGGTTGCTGCTGCTGCCGCTGCTGCTGGGCTGAAC
>EP73226 (+) Hs OAZ1; range -499 to 100.

TAATATCATCGATGATTACAGGTGTTACTGGAAATAATTCTGGCGCGGTTGGACAACCC
CCCAAGCACCCGGGGCTACCCAGGGGAGGGGTCCCGCTGCGTGAAGGGACCTAGGGA
GGGCGACGTGGACCACGACAGACAAACGGGCACTCGAAGACCCCGAAAAATCGGCCCCAG
CGAGCCGCCCCCGCCCCAAGGCACGATTGTGGGGGCGGGGACGGCTCGGGGCGCGCGCA
GCGCGTACCCGGCGCCACGGCAGCCCCGCCCCAGAAGGACGCGCGCAGGAGGGGGCGTG
GCCCGAGGCTACCAACCAATCTCCAGAGAGCCTCTTCTTTCCCTTTCCCTTTACCAA
TCAGGCGCTGGGAGGGGCGGGCGCGACTTTTTTCCCGGCGGGCCCCGCGGCTCTGCCCT
CGTGCGGTGCGGTTCCCGGCGGCGGGGGGGCGTGGCTGGGCGCAGCATCTATAAAGGC
GGGCGGCGGAGAGGCGCCATTTTGCGAACGGCGAGCAGCGGCGGCGGCGGAGAGACG
CAGCGGAGGTTTTCTGGTTTCGACCCACGCGCGGATGGTGAAATCTCCTGACGC

>EP73227 (+) Hs SQSTM1; range -499 to 100.

CGGCAGGCTGACCATGGCAGGCTCGGAACAGCAACCTGAGAGCCAGCTTGTCTGGCCAG
CAGTGCCCACTGGGCGACCTAGCAGCCTCCTGATATGGGGGCTGTGTCCCCCTCTCCCTG
CACTGGGTACCCCCAAGTATGCTGAGTCATGGCCAGGCCAAGCCTGGGAGGG
GCGAGGGGCTGGACCCCGCCAGTACCCTGATCCCAGGTGCAGAGGCTGGAGCCAGGCC
TGTATGAGTGCCAGGGCCGGTTTCTGGGGTCTTGGTGCACCGGGGCAATGAAGAGAGG
GGTCAGCAATGAGGGGGCCGGGAGACCTGGAGCGAGGGGTAGCGGGGAAGGGGAGAGTAG
TGAAGGGGCTCTGCAGGGCGGCTCTCGCGCCGCGACGACGGTGGCGGGGCGGGGAGGG
CGCGAGAGACTCCGCCCTCTCGAGGCGGGGCGGGGCTCCGCGTTTCGCTACAAAAGCCG
CGCGGGCGGCTGCGACCGGGACGGCCGTTTTCCGCCAGCTCGCCGCTCGCTATGGCGTCG
CTCACCGTGAAGGCCTACCTTCTGGGCAAGGAGGACGCGCGCGGAGATTTCGCCGCTTC

>EP73228 (+) Hs CCT2; range -499 to 100.

CAGTCAACGTCCAGTTAGAAATAACGTCTGAAAATTCAGTAAGAGAAAAGGAAGTCTTCT
TCTGTAATACTCAGTAAATAATGTTTAAATTAACATAGCAATAATATTATCTGGGAATA
TGATAGTAAATAGCCCCCTCAAAAAAAGTGAAGAGTTGAAAGCAGTTTTCTGGAGACAG
GAAGTGGTGAGGCAGATAAATTATGTTTTCTTATTGGTATATAACACTTTAACTGTG
TACATGTGTGACTTTAATAGAAGTGTTTAAAGATTAATTTAAGAAAAAAGGAAGTGA
GCAAGAAGTCCATTTCTATGGCAACCCGCGCGGAGCCGCTCTTTGTTCTGGAGCGCG
GCCACGCCCCCTCCAGTGTGAAGGCTGCGTTTTCCGGCCGTTGGGGCTCCAATCAAAATG
GGACGCTGCTGGCGTAACGACAGGCCGGGGCCCCGCCCCCGAAGTAGGGCGTGTGGC
GTCACCTCCGGCTTCTTCACTCCGCTGGTCCCGAGCAGAGCTGTGAGGGGATTCACTT
GTGTGCGGAACCTCTCGGAACCATGGTGAAGCTGACTCCCTGCCTCTTGCCCTACCCCT

>EP73229 (+) Hs CG005; range -499 to 100.

TTATCTGTTATTGGGGACCTGCGCCCCAGTAATTCTGTCCTTCCACAGAAAAGCATGAGC
CTAAAATTACGTCAGGTGGTCTTTCGTAGAAACGACCGGAATGCAATTTGTGGTACCAA
CTGTGGAGTTCGGTTGGAAAAGTCAGCTGGTTGTCTTCTAGAAAGCTCTAAGAAGCATGC
ACTGAGAGCCGATTATACATCTATTGGGGGCGCCAGTTTCTCAAATTCCTTTTTCTTC
GGGGGTGAACGCCAGAGGAGGTGCTGCTTCTTTTAAAGAAAGTTGGTGTTTTAGATA
ACTTCCCTGCTCCAGATCTAGGAATAATTCCGGTCTACTTTTGTGCAAATTAAGTGGC
TTTGTACGCCATGGATTCTGGGAGACCTAGTCTCCGTGCCGTGAGGTTTACGGAGCCGG
TGTGAACGTCGGACTTCAATTCACCAATGCCTGGCGCAAACGCCTAGTTTGGCCTGGG
TAACCGAGAGGTGACCGCCATCTTGCCTACGGAGGTGAGGTTTGTACCGCGATTCTGAG
AGGTGGGCTTTTAGTCCCTCCAGACCTCGGCTTTAGTGTGCTCCTCCGCTTTCTTTACCC

>EP73230 (+) Hs SERPINA5; range -499 to 100.

ATCCCTCTCATTTTCCACTAGAACTAAGTGTGGGATCTATGACCCAGTCAGCATAGCAG
GCCTGTGGGGAGCTCTCAGGTTCAAGCATATGCCCCCTAATCTACAAGAAATTAGCTG
CAGAAAACCAAGGAATAGAACCTGGAAAAAGAGAGGGTTTGCTAGAGCTGTCCCTTTCCC
TGTCTCTGGAATGCCAACAATAGGGAGGCTCTTGGTCTTGTCTCTCAGGAGTGGCCATG
CCATTCCAGGAAAATGATGGCCAGCTGGTGGTGAAGGCTTGGGGGGCAGCGAGTGGGC
ATCGTGGTGAAGCCTCGGGATCAGGGAGTGCCTGTCAGGCAGGCCTGCTGGCCGGAA
ACCTGCCAGGAAAAGGAAGGGGCTGTCCCGGGGCGGGGCCAGGGAGGGGTGGAGACAGGGC
CGGCTGTGGTCAAGTGACAAATGCTGGCTGCAATCCAGCCAGCCCTCTGCCCTTTCTGAGC
CCGAGGGACTGCCACCTCCACTGTGTGCACACTCAGCTACGGGACACAGTAAGTACCGAT
GCCGCAAAGGGAGGTCCCCAGGGCTTGAGGGCATGTGAGGCGAGGAGAGGATGGACTCTA

>EP73231 (+) Hs PES1; range -499 to 100.

CATAACCGCGAATGAACCAAGAGAACCAGGCGGTGGGAAGTCTCAGCGAGTCTCACC
CTGCCCTCGGGAACCGCTTCTCAGCAGCGGCAGCCGAAGTCTGACGACGCTTAGCAACC
GTTACCTTGACAACGCAATCTATCGCGCACCATGGAGTGCGGCGCCCTCTGCATCCCA
GAAGGCACCGCGCTGTCCCTAAGCCTTCCGCCCTCTCCGTCCCAACATGCAACGAGGCT
CACAGTCAATGAATCGTCATCAGGGTGATTACAGAAAAGCCTGTATATCCACGTTTGT
TAACACTTAAAGTGTTTGTAAACATTGTGAGCGGGAAGATCTGGAAAGAGTGTTCTCAG
TGATTTTTTTTTCAGACTATAGTTTTAAATCTTGAGGAGGAAATCCCCATCTTTCCCTGGAC
TTGTACAGGCATCTCATTGGGCGAGCCCGCACAAACAGACAGCGTGGGGTGGGGAGGGTCC
TCGGGGTCTTGGCAGGGCACGTGCGGGAGGAAGTGGAGTCCCTGTACGCGCGGCCCTA
GTCGGCTCTCAACGTGGAGCGATGGGAGGCTTGAGAAGAAGAAGGTGATTGGGAAAGA

>EP73232 (+) Hs RPL37; range -499 to 100.

AATGAGGAGGCTGCTGGAGAAGTTGCTTTCTCCTAAAAGGGATTATCCCAGGCGCACACG
GTCAATTACACGCCGGGGACGCTCAGTCGGTGCGGGTACCCTGGGCAGGGCCAGCCCCGC
ATTCCAGGTTCTCCATGTGCCTAGAAGACAGTAATCGACGGTATAGCAACAGATCTGACT
GCTAACGTGCGAAACCGATCAGTAGTAGCAGTAGCACCAGCAACAGCAGCACGAAAAGCA
AACTGTAATCTAAACGGCCCTCAGGGTCTAAGCAGGCCCGACGAAGACTCGCCCATCCG
GTCGCCAGAAAAGTGGGAGTCCCGCCCGCTTTCCGGCACTGAAACGCGATCGGCCCTGC
CTGGTACCGCATCTCTCTTGAACCCACCTACACTACGACGACGGACGCTCGAGAACGC
TGACCCGCGCCCCGAGGAAGTGCTTCCCTGGGCGGAAGCTTCTGAGCGTGATATAGCGG
AAGTGCTTCTCTTCCGGTCTTCTGGTCTCGGCCGAGAAGCGAGATGGTGAGTTGTGA

CTGTGGTGTGTTGTGAATCGCGTTCCATCCTCGTCCTTTGTGCCTCTCTGTTTGCTGTGCT
>EP73233 (+) Hs RPL39; range -499 to 100.

CCCCCTCCAACCTTCTCCGGCTTCTCCGACACGACTGTCCCTTCCCACACCTCCCAGCCA
GGCCGAAATGACTCGTAACCTCTGGGAAAATGGCACTTACTCTCCGCCTGCCGAGCTCC
GACCCGGCGTTCCGAGTCCCCGGCGCCGGAGGTGACGGTCGCTTCCCTGCCCTCCCTT
AGGGTTAGTCCCGCCCAATCGGCTCCTTAATTTTTCGGAGGGGCTTCTACTTTGGCATT
ATCACGGGCTGTCTGCCTCACTTACGAAGCAGGGTGCCCTAGCACACTGCCGGGCCCT
GGGGGAACGCACTTAGGGAAGCGAAGCAAAGCTAACTGCATTTGGCAGAAACCAGCGCGC
TTTCCACGGCGCCACGGGAGCGCACCGCTAGACAGAGAAGGCACTAGAAGAGGCGGTG
GTGCATAGCGTCACCTCCTAAACTCCGCCATCGGAAGCGCCTTCTAAGCTCGTTCTTCC
GCCAGCTTCCCTCCTCTTCTTCTTCTCCGCCATCGTGGTGTGTTCTTGACTCCGCTGCTCG
CCATGGTAAGTCCATCGGCCCCCATCGGCCCGGGTGGCTTCCAAAACCCGAGGCCCG
>EP73234 (+) Hs DLD; range -499 to 100.

CATCCCTTATATGGCATTGAGAGGAGCGAGTATAAAGCAGTAGATAATACCAAAGGTTT
TGGCCTCAGGGCCGAGTTATCTCTCTTTGTGAGACCTTGGGGGCACTGTTTAACCTCT
CTGGGTCTCATCCAAGAAATGAAATACTAATAATACTCCATATGGTTGTTGCAAGGATG
AAATGAGTGTCTGTAGGAAGTGCCGAGGAATGCCTAGCACAAACCAAGAGCTTGTGAAC
TTGTACGCTTTTACTGTGCGATAATGTGCATTAAGCAAACGCTAGTTTTATTTGTTTATT
CATCTTCTAAGTATAAGAATACATTGTAGCTCGACATTTTGGCACCCAGCCCTAAAGCAT
TCCCACCACCACCCCGCTGCGACAAAGCCCTGCGCTCCTTACGACAGCGTACGACGCCG
AGCCTGACAGGAACGCCTCGTGCAGTAGAACCGCGCGGGCCAATCGCGCTGCTCCCGGGT
GATGACGTAGGTGCGCCTGTGCATGCGCAGGGAGGGGAGACCTTGGCGGAGCGGCGGAG
GCGCCAGCGGAGGTGAAAGTATTGGCGGAAAGGAAAATACAGCGGAAAAATGCAGAGCT
>EP73235 (+) Hs SLC31A2; range -499 to 100.

AATTACACGGGTGTATTCTTTTGGCTTATCAGATTGGAAAATATTTTCTAAAAAGAAA
AATGTAATTATCTTGAATGACTACACTAAAAATCTAGGGCATAATTGACTTAATTTACT
CCAAATGTGTTGCTATTGCGTCCATAGCACGGACTTGCCCATTTCAACTCAATATATGTT
ACGCTTGGGGTAGTTTATTACAATGAGCAATAAACATTCTCATAATCGCCAAGACAAGCC
AAGTGCAAAACAGGAAGGGCGAAGACAGAGGGCAGCAGGTGGTCCCTCTCGCTCGCGACT
CCGGGAACGCCAAGCCTCAGCCCTTGGGAACCTGGGGCGAGGCGCCTGGGTCTCGGCCAG
GGGGCGCGCCCGAGGACGCCGAAGTAGGGCGCGTGTGGGGACCACAACCTCCAGGCGCCC
GCGCGCCGCTCGCCCGGACCAGTGATCCGTGCGGCCAGGGTAGCTATCGCGGCGGCGG
CGCGCGCGCGGTTGAACCTGACTCGGAGCGAGGAGACCCGAGCGAGCAGACGCGGCCCTG
GCGCCCGCCCTGCGCACTACCATGGCGGTAAGGGCCGGCGCTACGGTGAAGAGGGTGG
>EP73236 (+) Hs CDCA8; range -499 to 100.

GGGCTGCTGTCTCTGCGGACCCGCACTTGCCCGAAGTTCGGCCTGAGGAGCTTGGGG
CCCTGAGGAGCGCCGACGTAGGCAGCCAGCCAGTCAATCAGTCAGAGGGTCACGGCGGCC
CCTCGGCTACTCAGTGGCAGCCAGGCCAGAAAGAAGCAGCCGCAACCCTGGAGCAGAAT
CCTACAGCCGACCTGACCTAGTAGGCCCCAGCCCTCCAGAGCTTGGGGTATTGCAGAGC
CGCCACAAGGCTGCGGGGAGTAGTAGTTTGTATAGTTTCGAGCCGGCCAGGGCGGAGCC
GGGTGGGTGGTGGGGAGGGCGGGGAAACAAGCCTGGACCACAACCTCCAGGAGTACCCG
CGACGGCGGGCGCCTCGCTGTGCACTCAGGCTATAGGGGGCGCATTGGGCGGAAGACCC
TGGGCCGGCAGGAACCTTGCTTGATGGATGTTGTGGGACGGCGGCTTCTCATTCTGCA
GCCTGTGACTGTGGAGTTTGAATTGGGTGGCGGTTGACTGTAGAGCCGCTCTCTCTCACT
GGCACAGCGAGTTTTGCTCAGCCCTTGCTCTCGGACCGCAGGTACGTGCCTGGCGACTT
>EP73237 (+) Hs RNPC4; range -499 to 100.

CGGCTCAGAACGGGGATTTTCGAGTTCAGCATCCCCGGACGTTAAACAAACGCCGCTGTT
TCTACAAAGCTTAACCTTAACGACCGACGTGACTCCTTCAGCAAATCCGAGTAGGGACGG
CCAAGGATGTAATTTGTCCTCTGTTGGCTCCGCCATCGCATGGTCTAGTCTACGC
GAGCACCAGGAGTGGGGTTGGTGCTTCTCACTCCGTTTTTCAGTCCCGTTTTCCCGCG
CCTCCGCAAGTCATTTAACCAATGAGAGAGTGATGGGCGGCTACCAAAGGACGTTCCAT
TTTCTGGAGTCTCTGAGGTTAGCCAATCAATGGGAACCTCGGTGGTTGCTAAGACGCATT
GAGTTTGTCTCCACCATACTTAGGACTTTAGCCAATGAGAACCTGTACTTTGGACGGTTG
CCGCGAAACCAAGTGGGTTATTTCAAAGCCGGGGAGTCTTGGCGCATGCGCAGATTGGG
GAAGGTTCTGGAAGACGGCAGAGCTGCCGCCATTTTGGGGAAGAGGAGGCTCTGTACCT
GCAGTGCTGCTTTTCTTGCTAGACTCTAGGAACTATCCGAGCTCCACTCCCCACAACAT
>EP73238 (+) Hs FLJ10525; range -499 to 100.

TCTGTGCTCCCTGTGATTAATCAGCCTCTACACATATTACACAATCACTATGCTCTGAT
TTCCGTTTACTTGTCTCTTTTGAATCTGTGTCATATTCTCTTTTATCCGCCGTGC
CAAGTATGGAGCCTGTACATAGCAGGCCTCATAAATACTTATTGAAAGAATTAATAATA
GACGTAGAACCAACGGGCTTAGTAAGCCCCTGAGAAAGGAATCAAAGATGTTTCTGAGG
CCTCTATATCAGGAAGTGGGAAATTTATGGTTTGAGAATGGGCAGGAAAGATCATTTG
TGAGCTGTATTTAATGCAAAAGTTGCTCCCCCATCTGATTTCTTAGCTCACTGGGCCAA
TCGGCGGAAGGACAGGTGGGGCTCAAATTAGGAGAAAAAAACCACACTTCCCGTCATGCC
TCTGGGCACCGCTCCCGTTTCCCCCTCTTTGTACCGCCTCTTCCCCACGGAAATGAAAG

GAGCACTTCCGGGTTTCGGCAATAACCTGGAGCCGGCGGCTAGGTTGGCTCTTTAGGGCT
TCACCCCGAAGCTCCACCTTCGCTCCCGTCTTTCTGGAACACCGCTTTGATCTCGGCGG
>EP73239 (+) Hs C200RF44; range -499 to 100.

ACGGGGTTTTGCCATGTTGGCCAGGCTAGTCTGAACTCCTGATCTCAGGTGATCCGCC
GCCTCGGCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCCCGGTCTTCTGGC
TCTTTCTAAAGATTGGGATTTCTAAAGTCTGTTCTTTTCAACCTCCATTGAAAAGTGT
TGGGGTGGAGTTTGGGAAGGAGGGGCTGAGGAGTGAGGCTGGGTTAGGTGGGGAATAAAG
AGAGGGATATGAGAAGCCCCGAGGTCTGGGGTCAAGGAGACAGGCGTGGGGGAAGGATTT
GAACCACTGTTACGTGTAGTGGGGGAGACAGCAGGGAGAGCGTGCCCCGGGCACGACAGCC
TGGTGCACAGCCGAGAAAACAACAGCGCGTGCGCGTAGCGACCTCTTTGCGCCTGCGCCC
CCCTTGCCAGTCTTTGCGCGCAAAAAGGAGGACGTAGAAAAGGGGACACCGGAAACTCAC
TCTTCACCCGGAATGTTATTGAGGAACATGGCGTTGCTGGTGCGAGTCCTTGAGTG
AAGGAGTAATTTTCTACGGTAGCTCTCTGGGTCCCGGTTGGAGTTCGACAAGGCAGGGC
>EP73240 (+) Hs FLJ11000; range -499 to 100.

TGCAGTGAGAATGCTCAGGACACAAAGTTTTGTGTCCAGAGAAGCCCAGTCATCATTACA
AAATTGATCTCTAAAAGGGTTGGGGGACAGACGGCATAGCTGCTTCCCAAGGAAATGAG
TAGGAGGTGACCTGGTCTGACTGCCACTGGCTGGGAGCTTGGACCAGATGATCCTG
ATGGGTTTCTTCTGAATAAAAATTCGGGTTGTGTTTATCTTGCAGTTTAAATCACTGGGA
GCTTCGAGAGTTCTTTGGCTCCTTCCCTTCTGGAATTATTGTGTGATATAATCAAGACA
TTTACCTGGCTCTTTAAATCAGTTGGTTTTGCCGGCTACAGTGAGGTAAGAGTATGTCA
TAATGGACAATAAAAAGTTGTTTACATACCTATTTCTGAAAAGTCATGGGCCACTGGCA
AGTTAGGAAACGAAAGTGAAATCAGCTGATAGTGACATCAGTCAGAACAAATGTACCAAA
GTTTCAGAGAGCTGTTTACTAGGCACGACTGCGAAGGCAAGGGGGCACAGCTCAGGACTG
CATCTGCCTGCCATTTCCCTTCCACTCCTCTTCTGGAGTCTGACATTAGAAAGCCAGC
>EP73241 (+) Hs HIMAP4; range -499 to 100.

GGGGTTCAGGGGCTCAAGGGTCTTTTCAGAATAACTGATAACTCTCTAGTTTTGGCCAGA
AGTTTTCTCCAGAATGTCACAGCATGACCCATGTTTTTTGTCTCACTGCAGAGCCTTTGC
AAGGTTCAGTATGGTAGCCACCAGGCATACCAAGCTGAATATTCCTTCTTCTCTGGG
GAAAATGCCTGGTGCAAGTTGTTCTGCCTGACTTTGCCTTTTAGAATTCTGACAATGGAG
TAGCTATTTAACTTTAAATAAATTGAAACAAAATAAAATTTAAATTCAGAACTGCAATC
ACACTCGTCACATTTCAAGCGCTCAGTAGTCACGTGTGGCTAAGGGTCACCATCTTGGAC
AGCACAGAACACCCCATCCCTGCAGAAAGTTCTATTAGAGCTGCTGGATGATCAGGTGG
GCAGGTCCCTTGACAAGTAAATCTGGACAGCTCCTCCCTCACTTCTCTTCTCTCTG
TTTCTCAACATCCTGGCTTAGTATTGTGTGCAAAATCAGAGAGGGGTGCAAGATCCTGAT
TTTTCAGGTAAGGGAATAGGGGTGTGTGTGGTGCGGGTTCGGGACGAATGTGCGATTTTGG
>EP73242 (+) Hs FLJ11160; range -499 to 100.

TGACTGCCATGTTCTGGGTCTACTGAAAATAGCTGCCTGGCCTGGGAGGCCAGTTCAGT
CCGGGTGTGGGTCCCGCTTACCTCCAGAGCAGCGGCAGCCGGTAAGGGTAGAAGCGGCC
TTTGGAGAGGGGTCTCTGCAGCGCCTGGGGACAAGATGAGGGTCTCTTTGAGTCTGGG
GTGCAGGTTATAGTAGCTAAAGGGGAGGTCTGAGACAGTGGGGTCTGGCTCCAAGGTAAA
GAAGGAGCAGCAACCAAAAGCCTGATGCGCAGCGCACCCATCGCAAGCATGGGCAGTGC
GTTTAAGACTGGGTGACTCACTTTTTCTCTATAAAATGGGCGCACGACGGCCCCAGCTC
AGCGCCAGAAGGGGAGCCCCGGCGCGCCGGCAGAGACAAAGGAAAAAAGCGTGTTTGC
AAACGGGGAAGCGGCGCGTGCTGCCGCGAGGGGCGGGGCGGGGCGGGGAGGAGCCCG
CCTGCCGCTGCCAAGCCAGTGCTCTGGCCGTGCGCCGAGGCAGCGGCGGCGTGCGG
CAGCGGCGACAGTAAGTGCGGGCCGGCTCGGGCTCTTCCGGCTACGGTCCCGGCCGCCCC
>EP73243 (+) Hs C200RF29; range -499 to 100.

TACATTTGAAGTGGTGCCCCAGTGATTCTACGCATGTTGGCTAGATAAGAACTCAGCCG
CAGCCCCGTAGCTGCGCGCCCCGGCCTAGGTCCACCCGCCCGCTCCCGGAGCCTCTCTAA
GGCCGAGGCGACGCGCCCCGCCCTCCGGGACAACTAGGCCCGCCCTTTTCCGACAGAC
TCCGCGCTCCGAGCCGCGCGCCCCCTCGCGGCCGCGGGGTGCGCAGCCTGGGGCTCCG
CTGATCTAGGGCAACGAGCGGGGACGCTTCGAGCCGCGAGCGAGAGTGACCAGCATGGT
CCCTGCCGGCAGCTCGGGGCCGAGGGTTTTGACTGCAAGGCCAGCCACGCCGAGGGTC
CAAGCATCGGGATATGCCGCCAGCACCTGGCTGCTGCAGCACCGCGTGGACATGAGCGC
TCCGCCCAACCCGACGGCGTCAGCTGGCGCGCGCGCCGCGACCGACGTGCGCAGGCGCC
CACGGGCCGCGCAGCGCCATTGCTCTCTGCCACGGAGGGGAGCGCTTGGTGGCAGTCC
GCGGGCCCGGACGGAAGGTGAGGCGACGCTCGACGACAGCGGACCGGAGCTGACAGGGG
>EP73245 (+) Hs NAGK; range -499 to 100.

CGTGGCAGATGTTCAGTAGAACATTACAGTAATTTCTGTTACAGGTCCATGGGCGCAGGT
CCCTGAGCCACAGCTTCGCGGGGGTCTGGCCGAGCATGCGTCACAACCTACGCGGCCAA
GAGCAGTGCGCACGCGCAACCTAACGCGGGACTGCCAGCAACTCCGGGCGTTTACAGGC
AGGCAGGTCAGTGATGTCTTAAGGGTCCGACCGACCTAGATAACCTCTTTGATTCTCT
CCTCTTGGGATTAGTGTCCATCTCTGGAAGCAGGATCCAGGAGGACGGGAGGGGCCGCTG
CGGACCGCAGTCGCTCCACCTGGAGGAGACACCAGAAGGAAGACAGCTGAGGGACGCAG
CCATCCCCGGCTCCTACCGGCGCCCCGCGCATGCGCACGCGCACAGGGAGTCAGC

TGGCTGCGCGGGAGGTACGCGGAAGTGGGGCGGTGCCAGACAGCTGGAGGGAAGGAGGT
GTCAGGCGGGGAGAGACGCAACCGCGGGGACGAGCGACGGTAGCAGCAGCATGGCCG
CGATCTATGGGGGTGTAGAGGGGTGAGTGCGGCCGGCGGAGGGAGCCTGGGCCCGAAGG
>EP73246 (+) Hs C60RF37; range -499 to 100.
GGGTTTATCAATGGAGTAAATGGTCTACCTAAAAACCGAGGTTTAAAAGAGCGGTCTGTA
GGAACCTCCGGAGCCCAACCGTGATGATCTAAAGACGGGCTGAGTCCGCGAGAATTTTGG
GAAGTTTCTGCAGTTGCAGGATTTTAGTCGTGATCTGGTTTTGATGACCACTTATGATTC
CTGGGGCATTAAAGTGTCTCTCTGGGGAAAATGAAAAGAGATTTGTGGGAGGGGGCG
TACATAAATTAATGTATGTATAAATACACGCATCTACGGGCGCACACAGTATCCGCACA
TACAGCCAGGACCTCACGCTCACCGGCAGTCGTCCGCGCTAACTGCTGGGCTAGTCAG
CTGCGTGCCCTGCGGGCGGGGAGGGCAGAGGGGGCGGCGCCCTATGCAGATGAGGAGGG
TGTGGCGAACGTGCCGCTCTGGGCCCCGGAAGCGCAGAGAAGCCCGGTATAAAAAAGTA
CTGAAGACATTTTCCCGCACAACTGCTAAAGCTCCAGAGACACGAGCGTGTGTGGCAGC
AAGAGCCGCCAGTTCGGGACCACCGCAGCTGGGGTGGCAGCGGCGCAGAGGGGTGCGGG
>EP73247 (+) Hs FLJ20274; range -499 to 100.
CTCGACTGGGCTCAAGGAACACATAAAGGTCAACTTGTCTGTGATTGTCTGTTTTTCA
ATAACTCAAGTACAGGTACAGGATTATCTGTAACAGTGTGGATGAATGAATGCCTCAAG
GGGCTCATGCAACCTGTTACGGGACTTGACCATTGTGTCCACGTTCAATTGAGTTCAAAT
TTAATATTTAACTTTTCTCCACAGTAGCTGGCAGAATTATAGGGAAGGCTGGAGGAACA
GGTACCAAGGTTGGGTGGAAGAAGCTATATGGCTGGAGCCAGCTTCAAGGGCTTGAGGAG
CCACCGACACCACTTCCAGAATGGCTGCTATGCTGCCTCTACTGGATTGAGGTTGCAGTC
GGGAGGCGGGGAGGAGGCGGGGCTTGGGCGGGTATCACTCCACCCCTTTCACGATTGCA
GACCGGCTTAGGACCTGGCGCAGCACGGAATGAGGCTTCGAGGCCGGCTAGGGGAGGCC
GTCGCTCATATCCGACGTACCAAGTTCGCGCCGGCGATAGACGAGGACCCAACAGCAGC
GGAGAAACGTTTCTTTCTCTCAGTTTGCACACCATGGCGGCCCTGCCAGCAGA
>EP73248 (+) Hs OSSEP; range -499 to 100.
AAGCCCTCTTATGAGCAAAAGAGCAACCCCGTATCTGCACCGGCCCGATGGCAGCCTAG
CTCCTCCTAACCCGAGCACAAAGAAGGGTGACGCTGAGCCCCACGTGGGTAGCGGACC
TGGTCACGTGATCAGAGGCGCGCTTGTCTGGCCGAAGAATGCGCGTGATTGGTCTGTCT
GACACCACGTGACGGAGACGCTTAGCCTCGCTCCCTCCTCTAATTCTCTAGGACACTTA
GGTCCCCAACCTCCCTCGGGCTGTTTATCGTTGTGCCAGATGCACAGCACATTGTGTGA
CACTGACTTAAGATTCTAACTATGTGCAAGAGGGAAAAAACAGTGGAGAAGGCTGGGCT
GGACCAAGGAAAGAGATAGGAAAACGGATACGAATGTAAGGCACAGATTGGCTCGGCG
TCCCTGGCAGTTAGGAAGACAGGCTCCCTGGAGGGGCTTGGCGGGTCTCCGCTCGCGGA
GTTCCGCGGTGTCTTTCCAGTGCTATCTGCAGGCTGGCCAGCTTCTCTGCGCTCCGGA
AAGCTGCGGCCAGCGCGGACTAGTGAGGACCTCCACAGCTCCTGACATTGCCAGGAGTC
>EP73249 (+) Hs FLJ10509; range -499 to 100.
ATACCTATTCGGAACCAACCTGGGTCTAAAGACTGGAGCAAGTGTTTTTTTCCAAAACA
CGGCTTTTTTAAATAATTCTATAGGGATCACCTTGAACACACGTTAAGCAAAAAAAC
CTCAGCGAAAACGCCTCGCAATGTCCAGATTAAATGCAAAAGCAAAAGCATTAAAGTAGCT
TTCTGGCATAAACATATTGCAGCTGGGTAGCGTGGCCGAGCGGTCTAAGGCGCTGGATTA
AGGCTCCAGTCTCTTCGGGGCGTGGGTTGCAATCCACCGCTGCCAGGGTTGCTGTCTT
TTTGTCCCCGCTGCATACACTCTGGCTCAGTTTTGCGCGTGCCATCAGCGCCCCCTGCT
GCAGGGCGGGGCTCACGGCTGCATGAATGGCGCGGCGGAGGGGGCGGAGCCGCGTGAC
CGGGGCGGGGCTTGTGGGTAAGAGGAAACGCTGGGGCCGGCCGCTCCCCCCCACGTGT
CCGCCGGAGTTTCTCCACAGCAACATGGCCGCGCCTGAGAGGAGAGCCGGGCCGCCG
CGTCTCTGCAGCCGCGGGTAACTGGGCCGTTGCCGCCGTCGCGCTCGGCCCCCGCGGA
>EP73250 (+) Hs VPS35; range -499 to 100.
GCGGGTCAACGAAACCCGCGCAAGGCTGCACCGGCCAGTGAGAGCCAGGCCCCACCC
CGGGCGCATCTGGATTGGTTAGGACAGGACGTTGAGACCGTCCACAAACCAATCAGGGT
CTTCCTTTTGCGCATGCGCATCAATAGCGCAATCGCCAACGCAGATGCGGTGAACGTGGA
CTTGTCGGCTCCCCCTCCTTCCATTCTTCTTGACAACTCATCACACTGCCTTTCCC
TCCTGTTGTCTCCTGCCTGCCCGGGCGATCCCCACTGCCCTGCACTGCTCCGCCACT
CTCGCAGCTGTGGTGAGATTGGCTGGCGCTCAGGTCCGTCCATCTAGCGTTAAGTGACA
GGGCCAATAAGCACGCGAGACTCGGGTTCTAGAAAGTAGGCAATCAATGAGCCGCCTGT
AGGGCCCCGGGGCGGGGCTAGAGAGGGCGGGGCTTGGAGGGGCCGAGCGTCACATGACC
GCGGGAGGCTACGCGCGGGGCGGGTGTCTGCTGCTGCAAGCTCTGGGGAGTCGCCATGGT
GAGTGCTGAGGGGGCAGTGGCACCTGGGTGACCCCTCCTGTAGCCCCCTGCTCTCTCCA
>EP73251 (+) Hs C20RF31; range -499 to 100.
GAGTTGTAAGCTCTTAAAGGGACAGGAATTGCTCACTCGGGGAGCTCCGTTTTTGAGAA
GTGAGTCAGTGACGCTCCCGGCCGAATAAAGCTCCTTCTTTAACCCGGTGTCTGA
GGAGTTTTGTCTGCGGCTTGTCTGCTAGGTAATAATGGTAAAGGCTGAACATTTCTCAT
GCTTACCCTGCCTTCATACTTAATAAGGTTGTTGAAAAAATGAATGAGAGAATGCATTT
TAAATGCTCCGTACAGTACTAGTACACAATAAGTGCTCAATACATGCTAGCTGTTATTAT
TAAACATTAATTAATAACAGTAGTAACAACAGCCACTGACTTTAAGACACGTTGATCAG

TGTTGCCGAAACCGTACATCCGAAGTTGCTCTTCGGCCGCGTTTCGCTGCCATTGCATT
CAGGGGCTTGTAGTCCGGAAGTGAGAGGCTGATTTCTCAGCGCGCAGGCGCAGTGGCGCG
GATTCCCGGAAGAACC CGCAGCAGCTCCCAGGATGAACTGGTTGCAGTGGCTGCTGCTGC
TGCGGGGGCGCTGAGAGGACACGAGCTCTATGCCTTTCCGGCTGCTCATCCCGCTCGGCC
>EP73252 (+) Hs TMEM30A; range -499 to 100.

ATGGCGATTTATTAGATAAAGTCGCGGTTTTACAACCTAAGCAAATACTGCTAATCCTCC
CCCGACTCAATCCACCTTGAGGCCGCTTTTAAATGCTCCGACTCCCTTCAGAGAAAGCC
TCGAGGTAAAAAGAAAAACCTGTCTGGCAATCCAGACCTGCCGTGCCACGATAACCAGA
GTAGCAGGCAGGTGTGTGCTTACTAAAGCCACGGCCAACAGAGCGAAGATGCGCCTACAC
CGCACGCGAAGTGTACCGTAGCTCTAGGACCACGCATGCGCGAACGCAGATTGCGGATC
CAATGGCTGAGCCCGTCACAGGACAGATGATCAGGGTGCGTCCGCTTTTCGTTCCCGCT
TCTATCCTCCTCCCTTTCCCTCCCATGTCCTCCTTCTTCTCCCTCCTCCTCTCTC
CCTCCCTCTGGCGTCTCCAGCCGACTTTCGCTTCCCGTCAGCAGCCTTTGGCGGAAGAGT
GTCCCGCCTCTTCCGCTCTACAGCGGAGGTGGCTGTGGCGGTGGCGCTGGTGGCTGCGGC
GGCGGGCGGCGCAGCGGCGCTCGAGCGGTTCTGTGAGGGTCAGCCGGCGGGCCCCCTGG
>EP73253 (+) Hs FLJ11305; range -499 to 100.

GTGAGACCACCTCGAGGGCTCAGGGGTGCGCGCCGGGACGTGCCCTAACTCCTGCAGGCT
CGGGAGCGCGCGGCGGAGGCACCTTATGAGAGCTCGGGAGCGCGGCCATGTCCCTCCCC
CTCCCCCTCCTCGGGCGCGCGCGCCCGAGGCCCTGGCCAGCCAGGCGCGGAGGGTCTT
CCGCGGCTGGTTTTACAAAGGGGACAGCAAGGGTCAGCGCAGTGAAAGGCAGTTTAGC
CGTGGGGCTGTCTCGCCACTGGACCCCAAACCCCTCAGCCGGGCGGGCCCGAACACAC
AATCAGAGCCGTGGCGTCCCGGCTGAGAGGACGGGGCCCCGGCAGAAAGACCCGGGCC
CCCTCAGCCCGAGCGCTGCGCGAGCCGGTCCCAGGTTCTCCTCCGGAACCAACCTGC
GCACCCGCGGCGGGGCGGGGCGCCAGGACCCAGACGGACCGAGGGCCGGAAGTGACGC
CAGCTGGCCCGCTTGAGGCGTAGGGGTGGCGCTCTCCGTTGCGGCGCGCTCCCATGGCG
CACATTACCATTAACAGTACCTGCAGCAGGTGGGTCTAGCCGGGGAGCGCGCGGCGGC
>EP73254 (+) Hs HT007; range -499 to 100.

CTGAGAGGAGAGGAGGCTAGTCGGGGCTGCTCTGACGGCGCTGGGCGGCTGGTCCGGGGT
TTGGAGGAGGAGGTGCCCGAGAAACAGAGCTTTAACACCACACAGGCCAGGGCAAAGGGG
CGAGTTCCCTCAAGGACTGAAAGGGGACAGCAGCTAGTTCCAGCTGCCCTGAGGAGAGG
CAGGAGCGCAGTAACATTACAACATTCGGGCGCGCCCATCTTTCCCGCAGGACGCGAAGA
GATCAGGGAGCTAAGCTGATAAATAGTCAGGGAAGGAAATACTCGGCTGGCGAGGGGGG
AGGCCCAACAGCGCCTGGACCTCCTCTAAGCGAATAAGTGCCGTAATTTCTAGACGCCG
CGCCCAATCACAGTCAAGTAGGAGGGCGCGGCTTTTGAAGTGGGGCGGGCCCGGCG
TGCAATCGAGAGGCGTTGAGCCGTAAATCAGCACCACCTCCCGCCAGGGCGTTCTGGGT
CCCCGCCCACCGGCAAGTCACATGAGCCACCAAAATGGTGGTGTTGGGTATGAGGCTGG
GACTAAGCCAAGGGATTAGGTGTGGTGCCGGTGGGAAGTGAAGGAGCGCCCAAGGTAGG
>EP73255 (+) Hs BAP29; range -499 to 100.

ATATGTTGTGACATACAGTTGATCCTAGGTTCTCCAGAACAAAATGCTGCACGACCACCT
CATCCTGGCCCTTTATTAAATATAGCTTAATTCTGGACACAAACAGTTCCACCATGAAG
AGAGAGTAGGTACCGGAAAGGAGTGCGTCTTAAGCGCGTTTCGCTGAATTTGCACCACCC
AATCCAGCCCCCGCGCCGCGCGCTCCTTAGACCTGGACCCCGGCACCTCCCGCCGG
GGCCGCACTTAGCAGTGGAAGTCTGTCTCCTGAAGAAGTTGCGCTCCGACCTCCAAGC
ATCAGGTCAAAAGTCTAACTATTCTCTGACCTGCCGCAATTAGAAAACAACTGTTGCC
AATAAACGTGGTCGCGCCGCTGTGACCTCAGCCGGGACGGACCCGCGGGCGGGAGCCTG
CGGGGCGTGAGCGGGGTGGGGCCTGGTCCCCCTCCCCCGCCAGCCGCGGCGTCTGAC
GTCCCGCGCTGCGCGGCCGCGGAGCAGCGAGGAGCCAGGCGGGTGC CGGCGGGTAA
GGGCTTCTGCGACCCGGGGACCCGTGGGGCGTAGGCCGCGAGGGAGAGCGCCGCTGCCT
>EP73256 (+) Hs HMT; range -499 to 100.

CCCTGGAAAATGGGCAGGTAACTGCTGCTTGAGGTACCGCCCCAAATGCAGCACACCCA
CATTACCAGCACCAGATCCAGAAGCAGAACCCACCAGCCCCCTAACTTCTAACAGCGAGGA
CTGGTTTTTTATTACATAGACGGAACCTCTACAATTCTGACTCGTCAGCATCTGGCTCCTT
TATCAATGTTAGGATGAAATTTATCAAATTTCTGTGTCACTATATTTTGAAATTATCTT
TGAATCCTGAAGAGAGTTCTTAGATCCCAATACAGTAACAGCTTTACTTTAGTCGGGGAA
ATACACTGGTGTGAGGGAATCTGGTGTATGTGCGTGTGCTCTACTACTACTAATTCTTG
GCCCGGAGGGGCTCCTGGGGGTTCGCCGGGCCCTGTTAGGGAACCGCGTCCACTTCTCG
CCCTCTCGGCCCACTTCGAGGCTCGGTCTGCGGCTGCGCACAGCGCGAGGAAGCGCGGT
CAGGTGACTGCTGCGGGCCAGCAAGATGGCGGCTCATGCTTGGTCTGCTGGCGCTGT
GTCTGCTGCTGCCGCTGCTGTGCTGGGAGGATGGAAGCGCTGGCGCCGGGGCGGGCGG
>EP73257 (+) Hs RPL23A; range -499 to 100.

CTGGCATGGCAATCCTCTTCCTGAGACTGGCAGTTGCTCAAGATAGGAAGCTCCCGGGA
CCAGACCCGAGCGCCAGCCGCTACGCCGTCCGCTGGCTGAGCAAATAAACGCGTGTCT
TCAAAAAACTACAATCCCCATGGTGGCACGCGCTGTAGTCCCAGCTACTCTGGTGGCTG
AGGCAGGAGAATGGCGTAAACCCGGGAGGCGGAGCTTACAGTGAGCCGAGATCGGCCAC
TGCACTCCAGCTGGGCGACAGAGCGCTCAAAAAAAAAACAAAAACAAAAACAAAAA

CTACAACCCCCATGAAGCTTTAGTGCCTTTGAGGGGAGGAGTGGCGCATGTTTGTTCACG
CACGAAAAAGAAATTAACCTAACTACCGTCCCAGAGGGCGCCGCTCTGCAAATTACCC
AATCAGCTCTAAGTACAAAGCATCGCGAGTCTTTAGTGTCTTTGGCGCTATAAGCCCGT
GGGAACGAGCATTGGAGACCCCTTTTACAAGATGGCGCCGAAAGCGAAGAAGGAAGGTGT
GTGTTGGTGATGGGGCCGAGCTGGTTTACCGGGATTGCCGCGCCGAGAGCGAACGAA
>EP73258 (+) Hs RPL37A; range -499 to 100.

GAACTTTGGATTTTAGTCACTACTGTCGCTAGCATCCTGCACAGTCAGCCACTTTTAGAG
AGCATAATGCAGAGGGGAAATAAATGAGATTTGGAATAGAGACGGGGTTTCACCCTGCT
GGCCAGGCTGGTCTCGAACTCTGACCCACCCGCTCCCAAAGTGTTAGAATCACAAGC
GTGAGCCACCGCGCCCGGCCCAAAATGTAAGATTTATGCACTTCTCCAAGCCAAGTGC
TGTGCATCGAATGGAGGAACTCGTACCTTTGCAGGATTTTGTGATATATGTGAAATAATC
CGGACATGCTTCTGCTATGGTTGTTTGTGCCCATAGTTTGCGAATCTGGGTAAACCTGGA
TGAGAGAGACGCCTTACAATTGCAAACATTTCTCAGGAGGCCGCTGAAAACGCCCAAAC
CATAGAGCTCAGTTCCTAGCTAGGCCTCTACCAGCCACTTCCGCTCGTCCGCCTAATACC
GCGCTGCGCACCGCGTCTCTTCTTTCTGGGCTCGGACCTAGGTCGCGGCGACATGGTG
AGTGTGGGTCTCTGTGCGGCTAGAACTCTATCTGCCTGCATCTGTCTTGTCTTCTTCT
>EP73259 (+) Hs DAB2; range -499 to 100.

CAAATCCAATCGCGCATCAACTTTAGAAACTGCAGATCTGCGCAGGAACCGTTGTCCCT
TGTCAGAAAAGTCAGGAGTAAAGGCAGTCTTTGTTCAAAGGGCCCAACGGGTTGGTTA
GGATGACTCCGTGTGCCACATCACTCGCAGTGGCAATCCAGGGAACGGATCTGTGAAACG
AAGCTCGGTGGATCCACCCCTTTCTCCAGAGCTTCCCTTTCTGTCTTATTTGCACC
CGCCCCCGCCGCGTGGTCTGGGGCTTTTGAATCTCCCCGAACACATTTCCCTCCC
GTCGCTGGGTCCCTGCGATCGCCCCAGCTGGTGGGGCTCGCGGAGCTCAGGGGAGCGGG
GTCCTCTGCGCCGCTGCAGCGCGAGTTAATAAACAGTTAAGTTTGAAGACTCTGCAGAC
ACGTTGAGGGGGAGTTACCAAGCCCAGGCAGCAAAAACATCCTGGCACATTCTGGGGAG
TCCTCAGCTGCCAGCATCTGATTAGAACCATATCTCTCGCCGGGAGTGGCCGCGCGGCTC
CGAAGCTCCCGCCGCGGCTATTTAAGCGAGGCCCGCCGCATCCGCTGCGCTGTAGCCT
>EP73260 (+) Hs COX4I1; range -499 to 100.

TCTCGGCCACCAGGAGCCCGTTGACGGCGCAGTGCGGTACTTGGCGCCGTGCAGACCA
TCTTGCAGTAGGCTGGGTGGTCACTTTACCCCGGGCATGCTGACCCGGGAGGGCCCCG
GAGGCCCTGGGCGCGCGGCTGAGGCCTGGACCCGCTGCCTGGCCGCGCGGCGCCTCAGC
CGAGAAGCGGGACGAGGCGGCGGCGGATTGATGGCGCGCCGCGGGCTGGCGGGGACCT
TCAGGCCCGGCCCGCTTGGGCTCGGCTCCTGGAAGCGACTCGCGCTCTGGGAAGC
CGCAGCCCCAGACTCAGTCGCGCTTCTCGCCCGCGCCGCCGAAAGCAGCCTCTCCAA
CGCTGCGGAAAGCAGCCCCGCGGCTTTTACGACGTTTCGAGCGCTACCTTTTCC
GCTCCACGGTGACCTCCGTGCGGCGGGTGCGGGCGGAGTCTTCTCGATCCCGTGGTGC
TCCGCGGCGCGGCTTGTCTCTTCCGGTTCGCGGACACCGGTGTAGAGGGCGGTGCGG
GCGGGCAGTGGCGGAGGTGAGACAGGAGTGGCCGGTGCGGCGCCGCCAGGCCGGGCCG
>EP73261 (+) Hs DEPP; range -499 to 100.

GTAAGAAGACCAGGGTCAGACCCCGCAGACCGCCTTGGTCCCTTGCAGAGAGGGTGTGT
CTCTCCTAGGAGCAGGCCTAGGGACCCAGCCTCAGCTGCCTCCAGACTGGGGTCTGTGC
TGCTGATTTTTTCATCAAAGTTGCCAAGGACCTGGCCCAACTTCACAGGAGTCATGATGGG
GTGGTGTAACACAGAGTGGGAAACAAGCTTTGGGGCAGGGGTGGCCCTGGGGCTACCTGT
GAGGGCCAGTGGAACCCCTCCCTCTCCAGTGCCCTACTTGACCAGCAGTGAACCCAC
CCCTTTCTGCTGCGCTGACGCTAAACATTCCCCAGCCTCTACAGGCAGAAAAACACCTCC
AAGCTGGCAGCTGGGCCAGGCCCCGCCACCAAGCTGTTTTCTAAGACAGCCTTCCGAG
CAGGCTATTTTTGGCCCTCGTGACAGTGATTGATAGCTGCTGGGAAGGTATAAAAGCAGC
TTGCCTGCGAAGGTTCTTCACTGCTCAGGGAAGAGCTGCTACGGTGGACTGTGAGAC
TCAGTGCAGTGTCTCTCCAGCGACCCACGCTGGACCCCTGCCGACCCCTCCACCC
>EP73262 (+) Hs G3BP; range -499 to 100.

GAGCAACCTCCGTGTCTATCAGCTCCTTCCGGCGTTGCGATTGGCCACAGGCTGTCTTGG
CCTCTCGACGCCCCGCTCTAGTTGCTAGGGGTTTACTTCCCCAAAGTACACGGGCCCC
ACCTTGTGGCGCAACCGCTCTGATGGAAAACGGATCTCCGCCAGGGGAAGACGTGTT
AACGAATAAGAGCAGCCCCACACATTTATTGGCTACTTTGAGTATCAGTCAAAGAACTGC
TCACTGCGCTTTCTATTGTACTTTTCGGTTATTGGTCTCTCTTAGTGCCGATCTGTTACT
AGGGAAACGAGATCCTCACAGTCTCATAGGCAGGAGTCAAAGCCAATCAAGAGCCACGCC
TTCATCCCCGAGTCAGTGCCCAATTACTGTTTGAAGAGCCCTGAGGACGCGGTGCGGATT
GGTCATCCCGTGCGCCGACCTGGCCGCAACAAGTTAGGGTGAGTGGCAGTTATATAGACC
GGCGGCGGAGCACGCGTGTGTGCGGACGCGAGTTGCGTGAGGGGTTTGTACTATCCTCGGT
GCTGTGGTGCAGAGCTAGTTCTCTCAGCTCAGCCGCTAGGTACGCCGGGGTGTGGGC
>EP73263 (+) Hs JWA; range -499 to 100.

GAAACAGAGAAAAACATGGGAATTGCATTAGATGTGTAGAGGTTAGTAAGACTTAGTTTT
CAAAAGCAGCTCATTCTCCATTAACTGTAGTCGCTTCCATTTCACTTAGATT
GGCATCTGCACAGCTGCCAAAATTTTCTTAAGTCAGAGAACACACTCCTAGGTAAACC
TTCAAAAAAGGTATTTTGAAGGAGGCAGCTTCTCTGCTGCTAGAGAAGGCATTGCCACCT

CCCTTCAGACAGGGGATTTCCGCTAGTTGCTTTCTGTCAATTCGTCTCTATTCTGCACTC
AGTCCCTTGTCTGTCTGGAGGTTCTGTTTTCTGTACCAACCAAGAGCCAATGAAGA
AGTAAAGAGGAGCAAACACGCCCCGCTCACTCCAATTTCTTTGCTCTGCTGTCTGCCAA
CCGCAAAGCCGACCGAGACGGAGCGCTGTCAACTCTCCAAGCTCAGCTCAGCTGATCGGT
TGCCGCCGCCGCCGCCGAGATTCTGGAGGCGAAGAACGCAAAGCTGAGAACATGGACG
TTAATATCGCCCCACTCCGCGCTGGGACGATTTCTCCCGGGTTCCGATCGCTTTGCC
>EP73264 (+) Hs PROL4; range -499 to 100.

CATTAAACAGAAATGATCTCTATATTATTATGAAATTAAGCTACATATCATCCATATAGG
TATATATGCTATAAAAATGGAATTTATGCTACACTAATAGCTAGAGATATTAATCATTTT
CACTTCTGGCTATAAGATCACTGCTGACAAACATATACAAACGTAAGCACGTGTGCACAC
AGACAACCAATGAAGGGGAAAGACTAAGTGTCTAACCCTAATTGAAAATCAAATGATGACC
AAACTTCAATTGTAGTATTTGTGCTGATTGCTTGGATACTGTTTCTTCAGAACTATGCT
CAAGTCACAGTTTGTACCTAACACATCCTACCACCACATCCTGCTGGGCTAAAATCCCA
AAAAGTAATAAGAGACGCATTCAACTTTATGAGAGGAAAGCAAAACCTAATCTTTCAGGT
GGTGAGGTCCACCCAGTATGGAGCTCAAAGGTGCCATTGTTCTGCTCATGTTTATAAAGG
GAGCTGCCATGTTTCTCTCAACGCAGAGTTGGGAGCAACTCCAGAGCCTCCTTCAAGATG
CTGCTGGTCTGCTCTCAGTGGTCTTCTGGCTCTGAGCTCAGAGCACAGATAAT
>EP73265 (+) Hs MAPRE1; range -499 to 100.

GTTTCCCCAAAGTGCTATTAGGTATCTTTATGATTCAATAAACCATTCTTACAGAAATT
AATTGTAAGCCTGGGAGCGGTGGCTCACGCCTGTTATCCCAGCGCTTTGGGAGGCTAAGG
CGGGAGGATCGCTTGGAGCCAAGAGTTCGAGACCACCCTGGGCAACACAGCGAGACCTCC
ATACATCTCTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAATTCATTGTAAAGCAATTTTCTTTTGGTTA
CTGCCATAGGGATTTTGTAACTGAGTCACACCGGGCCGAGGCGGGACCTATTGGCTGCG
ACCGACCACGTGCCGAGTCGCCCCGGCGTGGGGCCCCGCCCTCGGCTACCGTTCTG
TGGATCAGGGGCGAGCTCCGCCCGGCGCGGCTGAGACCCTCTCTATAAAAGGAGC
CGCGGAGGATGGCGAGCCTTACGTCGGCGCGTAACGAGGGGGTGCGTGTGAGGTCAATC
GCGCGGGCGGGCGGGCGGGGTCTGGCGGTTTGAACGAGACGAAGACGGAACCGGAGCCGG
TTGCGGGCAGTGGAACGCGGTTCTGCCGAGAGCCGGTGAGCCGGCTAGCGGGCCCCGGGGG
>EP73266 (+) Hs MBLN2; range -499 to 100.

AGCACATTCTTCTCAATAATGGAATATGTAATGTTTTGTAAGGTATTAAGTCCATG
GCAGACGTTGAATATTTTCTTTAAAAACATATACATATGCTTTGTCAGATAGTCCA
AGGACTTCAGTTTCATGTACAACCTGGATTCTTTGGAATCTGCGGAGTTTCACATTTTC
CCAAGTGTTACGGTGAAGTCTCTGGCTTCGAGCTGGCTGTCTTCAAGGGTGTCTTTCTTG
AGTACCCCTCTCTCTGCTGCTGCCAATTATGTGCCACTTTGTCTTGGTGCTATGATTGCT
TTCTTCTGAGAGGGAATTCCTCTTTCATCAGTATGGATGCACTGTTTTTACACACTGCA
AGTGCTGTGTTACTGTGTGCTCAGTCATCTATTAGGGCCAGTTTCAGACGAGTAGGGCTGAC
GAGCTGGCTGGGGATTGGCTGGCCCCGGCTGGGAGGGATTGTGCGAAGGAAGGGCTGCA
GCTTACAGCAACAGAGTTTAGACTGTCTTTGCTTCATCATCTGAAGGTAAAATTTTCCAG
ATACGGCAGACGGCTTTCAGAGTACAATAAACAGGAATGAGAACTATTTACATGGAAGT
>EP73267 (+) Hs PRDX3; range -499 to 100.

GACAAAAACCAAATTTTAAATTTGTCCAGTTTTCCCAATTTTGGGAAGAGAGGCCAAAT
GTTAGACCACACACAATTCAGCGGATTTACAGGCCAACAAAGCCTTGATGTGTCTAGCCC
ACTTAGCTTATTAACGACTAAAACTGCATTTGTAATTAATTCCATTTATACAGAAGCC
GGAAGTCTCTACCTGAGGCTGAAATAAGAAAGGGATCCTGTACAGAAATACTAGACACA
GTAATCCACACAAGGTTAACAAAACAGTGGGAAATATGGAACAAATACCTAATGCCCGG
CCTGGATTCTTCTTTAAGGTTGGGGCGACAGTAGGAAACACAGTGTCACTTGCCCAA
GCATTCAGCCTTAAAGGGAATTTCTCCCTCAGGGTCTCCAGGAGGCGGGGAGGCGGTGGC
TCCTCCGGCCCCGCCCCCACCAGCAGAGGGCCGCTCACCACCCCGTAGGCCCCGCC
CTGCGTCTCTGCCCGCCCCGTGGCGCCGAGTGCAGTGAAGATGGCGGCTGCTGTAGGAC
GGTTGCTCCGAGCGTCCGTGAGTGGCTGTGCGCTGGGGACAGGCGTGGAGACACTGGTGG
>EP73268 (+) Hs UQCRB; range -499 to 100.

GCCCCCTTTGAGCTACTGGCCAAGGCCAAATGAAACCTCGTGCTCCTCTGCTGTGGGGCG
GCCCCGCTCGGGGCTCAGAGGCGCTGTGTCTACAGCTGGGAAGACTCGCAGGCCCAAG
CTCCTGGCCAGCGCTGCCCGGAGGTGGGAGGCCCTTCTCTGTACCTTTTGTTCCTCC
TCCCCCGCTCCCGCATTGCGCGCTTCTGACTGGGATTCCACAGAAAAGCCGAGGGCT
GAGGAGAAGTGTGAGCGCTCCGCTGTCCACTGTCCCCAAAGTCAGTTCAATCCCCGA
CGTCTCCGCTAGGCTCCACCCACCGGCCGGGAGGGCTCCAAGGCACCTCCCACCT
ACGGGTACCCAGTCAGCCCACTTCTTTCTGGGACAAAGCGCTCATCCCTTAGAGACAGT
AGGAAAATGGTATCTCCCGGAAGTTACCTCACGACCTCCAAGAGCGGCTTCCAACCTTGC
CGGAAATGACGAACGAGTCAACCGGATCGGTGACTGTGGAGGGCGAGCTGAGCCCTGTGC
GTGAGTGGGGTCTGTTGTGCACTGTTCTGGACCCTGGGAGGCTAGGGGCGCCCCGCTG
>EP73269 (+) Hs QPCT; range -499 to 100.

TCTATGGGGGGTGGGGGGTGTCTCAGTCTCCCCGTCTGTAATGGGATTAGTGGATTA
AATCCGGGAAGGTTGGACAAGCACCTAGGACGGTGCCTGGTGCCGTGTTTCAGCAGACGTC
GATTCCCTGTCCACCCCTTCTTAGGAGCTGTGGAAACACTTCATAACTCCCCAGGGTC

CTCTGCAGTCGCCACCGCCCAGCCCAGCCCCAGGCCGCCAGGATGGTCTCGGACTGGC
CGTCGCTGTACATGAAGGCCGTGTCCAGTTCGGTGTGGCCGCGCTCCAGAAAGGCCGCGCA

CGGCCGCGGCGCTGGCGGGCGCGTCCATGCGGCGCCCCATCTCCATGGTGCCAGCACCG
AGGCGACCCGCGGTGGCGGTGGCCGGGACATGGCGAGCGCGGGGCTCGGGCGGCGAG
AGCGAAGCGCGCAGTGGACGGCGGCGGGGAGACTACGCGAGACGCGGCACTCAGCATAG
CAGCGGCGCCTGCGCGTTGGGAGCGGGGGCCCCGCCATGCCGGGAGGAGCGCGGAGG
CAGTTGGGGGCGGGGACAACAGGCGCGGCCCCAGCGGCGCTCCAGGCCCGGTGAGCCCA
GCGCGCGGCGTGGGGGCGGGGCTGCGGTTCCGCGGGGCGGTGGCGCGCGGTGAGCTG
ACCCGGCGGGCCTTGACCCAGAAGCTGGGCCCTGGCGGCGGATCTGGACGTGGTGAAGCG
GACCGGGGCGAGGTGGCAAATTCACGGCTGGGGGTGCGGGCTCCTGGGCTTCCCTGCCA
>EP73276 (+) Hs FLJ20420; range -499 to 100.

CATTAAGCTACCTACGACTGTAATGAAACGCTAAGTTTTGAGCCAGGAATTTGTGTATA
GAACACTAGGAATGGCTTCATTAGTATCATGCATCTTTTTCATTAACTGTGAGTCCCTT
TGAGAGAAAGATTGTGTCTCTGAACTTAGTGGCCTAAATTTCTAGAATTATGTCTTCAA
AAGTTGCCAGTTAGGCGTCTCTGGGAGTCAAAACCACAACTCCCAGAATGCCGTGCTC
CCTTAGCGCGCTCAGGCGCGGGGAGAGAATGTCCATCACCCACCGCGCCAGATCGAGAC
CACAGTTCCCACTACACCCAGGACTCCGCGGAAAGCTATCAAACACCACCTGTTGCCAT
AGCATCCGGGTGCGGTGAACCAATCCGGGCGCCCTCGCCGAACAGAGGCGGGCAGTTCGC
ATCGCCGACCAACCTGACCGTGTCTTGTGGCGGTGACCGGAGGAGCGGGAGCTCA
GGACCGGCGCCTTCTCTTGTCTTGGGGGTGCTGGCCTTGCTCCCGCTGTGCGGAAAA
GAATCCAGGCCCTTCCACGCGGTGTGGGTGCGGGGGCCCCGAAGTGCTCGTGGTCCCC
>EP73277 (+) Hs FLJ20424; range -499 to 100.

TCTCTACTAAAAATACAACAATTAGCGGGCGTGGTGGCGGGCACCTGTAATCCCAGCTA
CTCGTGAGGCTGAGGCAGAGAATTGCTTGAACCGGGAGCGGAGCTTGACGCGAGCCGA
TATTGCGCCACTGCACCCAGCCTGGGCGACAGAGCGAGACTCCGTCTCAAAAAAAAAAC
GAGGCAAGGCAAGCAAAATGCTTGGCGTAGTGCCTGACTCATCGTAGGCCCTCAATAAAT
GTTAGCAATTACCACATTTTCTCAGCATCTGCCCTTCACTGGGGAGGCACTAATGAGAA
GGGGCAAAAAAGCCTTTCGAGACCATCCTGTTTCCAGTCCGGGTTCACCCACCCGAGC
ATGCGAACCCAGGGCGTTGGGAACCCAGCGCGCACCCGTGAGGGGCGGGGCTGCCGTT
CCCGCCTCGAGTGTGGCCCCGCTCCACCTCCTTCGTCGCGGCTCTAGTGCACTTTCGG
CTCCTTCCCCTTCCCGGGCCTTTCAGCTTGGTCTTTCGGGCTCGCTTCCCCCAGCCCC
TGCGCCCCGGCCGAACGAGAGGTTCCGGAGCCCCGGCGCGGGCGGGTCTGGGGTGTAGA
>EP73278 (+) Hs ADPRHL2; range -499 to 100.

GTTCTTTCCCTCCCCTCAGGGCACCCCTCTCTGGGCTGGGTGAGCACTCCTGGGCTGCAG
CAGCGCGGCTCTACCTGGCTGTGTCCAGTTGGCCCCTGGTCCGCCCTCCTGATGCTTA
AGGGAGGCCCCACAGGGGGCAAGGGGCCCGGTGGGAGGGCTTGGGGGTGGTCCCGGCTCGG
TGGGGAGGGCCGGCTGGGGGTGCGGAGTTAGGGTTGCTCGCCTGCGGAAGGCAGTGTGGG
CTGCAGTGATCAATGGTCTGGCTCAGTGCCCATCCCCGGAGACCCCATAGTGGCCTTC
CCACCCAGTTAGCCAGTGGTGAGGAGCGGAAAACGAGACTCAAAGCACAGGCTGGCGG
GAAGTGCGCGGCGCGCGACTCCGGGCCGTGGGCGGCGCTGTGGGCTGGCGGCGGAGT
GGAAACTCTAGGCCCCAGGGAGCGCTGCGGACGGAAGTAGGGAACTGTGAGGGCGGCAC
CGGAAGTGGCGAGCAGTCTGCGCGGGATGGCCGAGCGGCGATGGCGGCGAGCGGAGGT
GGAGGGGCTGGCGCGGCCCGCTCCCTCTCGCGCTTCCGAGGCTGCCTGGCTGGCGCGCTG
>EP73279 (+) Hs TAPBP; range -499 to 100.

GGAGCCCAGCCAGCTGCGCCTGCGCTGCAGGAGGGCGGGGGCTCTGGTTGTAAAACACAC
TTCCTGCTGCGAAAGACCCACATGCTACAAGACGGGCAAAATAAAGTGACAGATGACCAC
CCTGCAGCTCTCCAGCTTCTCTCTGAAATCCCAGTCCCAAAATCCAGTTTCTGGCCGC
CTCCTGGCTCAGGTGAGGATCTGGCAGAGGAGGTTTCTCAGCCGGTTATGTTGGGGCTG
CTTAAGGGCGGGGTGAGAAAGGTCCCCAGGCTACTGTGGATCCTGTGTCTGACTTCAGA
TCCCTTTTCCACAGTTATAGCTCCACTTTTTTGGGACAGGTGGGGAGCAAAAGGGTGC
AGAGGTGAGGCTTGAATACACAGGGGATTTCGGGTGAGGTGGGTGGTGAGAAAGGAA
ACAGCAAGCAGGGCTCTGGCAGCTGCTGCAGACGGCTTACACAGGGACGCGGGCTGCCA
TCTTGCTCTAAGTGAAAGTGAAGAAAAGTCGGCAGCAGAGGGAACAGGGAAGAAACCTA
AAGGCTGCAGGCTGCCAGGTGTGCTTGAGAGAGCCCCCTTCTTCCGCCGGGCTCGCAAGC
>EP73280 (+) Hs FLJ10276; range -499 to 100.

AATTATTACATTCTCCAACTCTGGGCCACAGCCCCGAATATGGGCTTATTGAATTA
GCCCAAAGAGACACAAAGCAGCCTCTACGAGCTGGTTTACAAAGGGGGGCGGTCTTAA
CCCTGCGCTCTGGGATCCTGACGTTGAGCTATCTCTCCTCCTCCCCTGCTCCCAGCT
CTCCGAGTCCAGCTTGTGCGCTGATCATCGTCCATAGAGGCCACCGTACCCGACGTTTG
CGGACAGTGACAAAGAGTCAAGCTTGGTGGAGCCTGAGGACAGGACTGAATGACGATTGA
ACTGAGAGTTAGGGGCGGAGTTTGGGGCGAACTCGGGACAGAGACTGGATAGAGTTCA
GGGAGGCGGGACCTAATGATGGCGCAGGGAGGGGATTGGGCTGAGGGCGGTGCCGGCGG
AGGATTGGGCCGAGCGCCTCGGGGCGGTCTTGGGGGCGGTGCCGTGTGCGGAAGTCA
AAGGTGAGTAAATAGTGGTGTATGTCATGAGGCAAGATGGCGGAAGGGTGAGCTTGTGCT
TTTGCTCCTAGGCGTTGGGGCCTGAATTTCCCAGGGTTGGGTGCTGGGCGAGAGTCCC
>EP73281 (+) Hs FANCL; range -499 to 100.

AAGCCACAGAACTGTAATATATGATATAATCAATGTGTTATACATTATATTACAATAA

TTATACACAAAATAATACATTATTCTGTATGTTAAGGGAGAGAGGACAACAGCAAAGAAG
ACAGAGTGCTACAACGTCCAGGCTGTAAAAGTCATTTTATTCTGGAGGAAATGCAACACC
AAAGTTGTAACAGTCTTTCAATAAAGTAAAACAGAATCATCGAAAGGGCTCCTGGGACAA
TTGAGGCTAGAATGATCTTGGTCAGTCAGTCCTGTGGACTTGAGGGCAATCTTCCCTCCC
ACTACCGTTTGGGGAGCCCTGATGTCGCCTCCCGCAGAGCGCCACTTGGCCTGGCCTGCG
CTTCACCTTCATTTCCGCCCGCGGAATCCTCCAGGATCTTCCGCCAAGGCTGGGGTTTC
CGCTCCGCGGCGTCCGAGCGCCAGCGGACTGCGCATGTGCAGGACCCAGCAGGTCTAGAG
CTTTTCTGTGTTTCTCCGACTTCGAGCCATGGCGGTGACGGAAGCGAGCCTGTTGCGCC
AGTGCCCCCTGCTTCTGCCCCAGAACC GGTCGAAAACCGTGTATGAGGGATTCTATCTCGG
>EP73282 (+) Hs ALAS1; range -499 to 100.

AGCTCCACCTCTCCGGGAAGCCCTTGTTACAGTTTCCAAAGCAAGCCGAGGCGGGAT
GGATCCTGCTTAACACCCCGGCCAGAACCCTTGATCTCCTTCTTCTCCATGTCCAA
GACACCCAGCTTAACAACCTGTAGCCCCCACTTGCCCTAGCGGCACCTCGCCTCGAC
CTTGCCATTTTATACTCAATTGGGGCGTAGGGTCTGAAGCCCAGGGTAGTTGGTGGGGA
GGCAGCACGAGGGTGCAGGATGAGGTCGGGAAAAGAGACCTCGTCCGCCACCGCCTAGC
GCTTCTCTCTCCCTGCAGCGAGCCGGGGAATCCCGGCAGCACCGATATCCGCAGAGCC
CAAGAAGTGGGCTCTCTCGCCCCCGCCCCGGCTCGCCGAGGGCTACGCGGCGCGCCTG
CGCAGAAGAAGGACGCGCCCAAGGCGCATGCGCAGCGGTCACTCCCGCTGTATATTAAGG
CGCCGGCGATCGCGCCTGAGGCTGCTCCCGGACAAGGGCAACGAGCGTTTCTGTTTGAC
TTCTCGACTTGAGTGCCCGCTCTTTCGCCCGCCTCTGCAGTCTCAGCGCAGGTGAG
>EP73283 (+) Hs ALDH1A1; range -499 to 100.

GGGCTTTTCTCCCCAACAGCACCTTGATTTTCTGGGAGATGGACTGATTTCTGAAAG
CCTTGTCCTGAAGACACCTGGCCAGCTTCTACTGAGAACAAGTGCCCTTTTAGACTCTTT
TCAATCCTCAAATCTCTGATTCCAAGTCTGTCAGAGAACAGAAAGTTACATAGTAGCAT
TAAAAAGCATGAGAAGTCAAAAAATAATAACTGGCCTTAGTGCCAGAGCAGCTGCTGC
ATACACTTATCACAGGTTTCGGCTTTGTAAATTAATTCATCTGCAATAGTGCACTGTCT
CCAGGTACAAATTCGATGCTGGAGCACTGGTTTCTTAAGGATTTAAGTTTAAAGTCAAAG
GCTTCTGCCCCTAGGTGTTACAAATAAGTAGTGCTGTTTTCTTTTTTGTCTGAGTTTG
TTCATCCAATCGTATCCGAGTATGCAAATAAACTTTAGCCCGTGAGATAAAAAAGGAAC
AAATAAAGCCAAGTGCTCTATCAGAACCAAATTGCTGAGCCAGTCACCTGTGTTCCAGGA
GCCGAATCAGAAATGTATCTCAGGCACGCCAGACTTACCTGTCTACTCACCATTG
>EP73284 (+) Hs CDC20; range -499 to 100.

GCTGCCGCGCGGCTCTCCTTCCCCTTCTAGGAACGGCTCAAGCGCCTTGGGCACTCCA
TCGGGTTCTGACCCGAGTTCTGCATCATAAATACGACTCTCGTGAGGATTTAAGTGTGA
ACTTCTGCAGGTTCTCGGACCTGAAGCACCCGGGGCCAGACATTCCGAGCTCGCGGCGG
TGGAAGGCACGCAAAAGGGCGAACCGAGACGACTCCAGGACGCTGAGGCAGCGCAGGCCC
CACCCGGCCCCGCCCTGCCCGCCCTGTCCCGGCGGCTTTCCAGTACTAGTCTCTGGC
GCCGGCTCCCAGCCCCCTCTCGTACCCTTCAAATCGCGCTCCGCGCTAGACTCTCGTGAT
AGCTGAGACTTTCCCCGGAAGGCCCGCCCCCTTCGCCGAGAGGCCAATGGGCTAGGGCA
ACGTTTGCAGCGTTGGATTTTGAAGGAGCCAATAGGCGCTCGGAGCGGAGAGTTTAAAG
GGCGTAAGCCAGGCGTGTTAAAGCCGGTCGGAAGTCTCCGGAGGGCACGGTGAGAGGTG
GTGGGGCTGAGCCGAGGTGGGGCCGTGGCCAGGGGGAGGGGGTGCTAGCCGGAAGGGGC
>EP73285 (+) Hs COX7A2; range -499 to 100.

TCTCAACACAAGGAACAGTAATGTGCCGAGCAATTCCTTCGGTGGAaaaaaactGACTGT
ATCCGCGTAAGAGGAGTAATCTTTTTTGAATTTTATGAGGCTTCAGAGCTGTATTTCCG
CCAACCCAGTCTTTGTTCAAGTTTCTAGCGGCTTCAAGTTTGCCAGTTTTACGCCTTCTC
GCTCAAAACAGACACTAGTTTTCTTTGATAGCCTGGTCTCACATTGACTTCATCTAAGCT
TATTACATTCGTCTCATAAATCGTTTGCTTTTCCCAGCCTTAGCTCCAGGGACCAGCC
TACTGAACATCGAAAAGGTGAGGACGAGATCACGGGACTGAGACGGCGAGCCGGCTAGA
GCGGATAGAGCGTACTGCCCTCTAGTTTTTCTTTTGTCTCTATGGTTAGGAGCGCAA
GCCTCTCTTCGGCCCCGAAAGATTTAAGTTCTGTAATGCATACGCAAGACTCGGAGGTAG
TTCCGGTTCCGGCGTGCCATTTTCTGTTGGTGGTGTTCAGTTGTGGCGGTTGCTGGTCAG
TAACAGCCAAGATGCTGCGGAATCTGCTGGTGAGGAGCTTCTATCTTGCATTATGATG
>EP73286 (+) Hs PIGT; range -499 to 100.

TATTGTAACAGGTGCTCATTTCTTCAATTTTGTGTTGAACATTTTCGTAATAAAAGAACCA
CTTATTTGGGGGTTTTGCAGCAAATGGAGACACTAGAAGCTAAGAGGGGCAGGAGGTTCC
TCTTACTTTGGGAAATGCAAATTAACCACAATGGTTTTCCCAAAGTAATTGATCTTT
TTCAGTCAATGTTTCTCAACTATCAAATGGGTAAAATGGCAGTGAAGGAGCTTCATATT
ATTAAGCATTTCTGGTGGGTGGAATACGCCATGAAGTGGCGCCTCAAGCTGGTTA
CTCGCCCTGCCTACTCCCTCTCGTGTCTCCAGTACCCCTTAGACCCACCAGCTCTGA
GGGAATCTTCGCGACCTGCGCAGGCGGTGCTCTGATAACCGCATCCCGGTTTCCGGGAC
GACAGCGGAAGTCACTTCTCACACGCCTTTCTATTGGATACCGGCTTTTCATGGGGCCG
AGCGCCGCTGGGTAGGCGGAAGTAGCCGAGGCATGGCGGCGGCTATGCCGCTTGCTCTG
CTCGTCTGTTGCTCTGGGGCCCGGCGCTGGTGCCTTGCAAGCCCCACGCGACAGC
>EP73287 (+) Hs ATP6V1H; range -499 to 100.

TACTGCAATGGAATTTATTATTTGCTAAATGTGCAACCCTAGGTTAAGAGAGCTTTTCAG
ACCCACTTCTCAGCCCGAGTTTTCTATTTAAAATCAGAATAAGAACGCCTGCTTCATGGA
GCTGTTAAATCCAAATGGAATTAATTTGAAAGCGCGAAATCAAACTTTTCAAAGAATG
ACGGTTACAATAAGAGCGTTTTGGCCTCTGCTAGCTGCTTCCGGGCGGAGGTCTCGGCC
TCCCTAGGCGAGGCACTAGGTCTGGGGCGGCGGGTCTTAGCGTGCCCGCCACGCTCGC
CGCCTCCACCTGCCCTGGCTGGCTGGGGCCGACCCTTGCCTGCTCCGGGGCCCAAGT
TACGGAATCGGGAATCCAGTTGTCCGACCGAACAAGCCCCGCCGAGCGCCGCCCTC
CTCTTGCTGCTTTGGAGTCTCCGGCTTCCGCTTCCGACGAGTCACGTGCCTCCGATC
ACGTGACCGGCGCTCTGTATTCTACTGCGGCCGCCCTGGCTTCTTCTACCTGTGCGG
CCCTCAACGTCTCCTTGGTGCGGGACCCGCTTCACTTTCGGCTCCCGAGTCTCCCTCA
>EP73288 (+) Hs LOC51629; range -499 to 100.

TTTCGAAGACCGAGGTGGGCGGATCGCTTGAGCCAGGAGTTCCAGACTAGCCTGGGCAA
AATAGGGAGACAAAAATAAAGTAACAAACCAGCCGGGCGTGGCGGCGCGCCTGTGGT
CCCAGCTACTCCGGAGGCTGAGGCGAGGAGATCGCTTGAACCCGGGAGGTCAAGGCTGCA
GTGAGCCTAGATCGCGCCACTGCCCTCCAGCCTCGGCGACAGAGCGAGGCTGAAAAAGAT
GCTGTCTAAAAAAGATGCTGGAAGTGCCTGCTGCCACGTTAAGCGCGACGTGGAGA
CCGCGAAGTTGGCCGGCAGCTCTCAGCGCTGGACAGGCATGGAACCTGCCCGCGCGGCC
CGTCAAGGGGGCGGGACCGTCCGAGGTCCGGGCGGAGACGCGAGTGGGCGGAGCCGGGGA
CACTCCGGGCTTGCGGCTGGTCCGCCGCGGCGGGGCGGGCCTCGTGCGCGGTGTAGGG
GCGGGGCCCCCTTGCTGCTTTCGGCGTCCGCTAGGTGCGCTGCGAGCGCGCGGACC
GCGCACAGGCGGCGGAGCCGTATGGGCCCGCTGACCTGGGCGCGCGCCGACGAGC
>EP73289 (+) Hs YPEL5; range -499 to 100.

CGATGTCTCGCAGCTGCCGAATTAGACAGGCCAAGCCTTCGCCTTTAAGAAGCTGACTC
ACGTGGATGTGTGTGTGTGCGCTCAGCTGAAAGGGGGAGGTGGTCCCGAGCTGACT
ACATTGGCCGCTCGAGAGAAGGGGCGAGTTAGCCTCTTTGATTGGCTGTACGAGTCCG
AGGTGCTGGGTGAGGGGCGGGGCGAGCTGTGCAAGCCTGCCCTGGGTCTGCGGCTTCTG
AGAGGGGTGGGCGCGAAGCGGAGGGGTGCGGGAGTGGGGGAGGGTGAGCCAGAGAAGGG
GCGGGGCCCCCGGAAAAAGGCAGGAGGCCGAGGACAGGGGCGGGGCTAGAAATAAAGGG
CGTTCTGGGCCAACCGGGAGAGCTGACTGCGGGGGGGCGGAGCCACGCCGGGTGACTGAC
GTTGAGGCCCAACAGGGAGAGGCGGGGCCAAGGCCAGGGCCTGACTAAACCTGGAGACT
CGGGTGGCCGAGGGGCTTCATACCAGCTGAAGAGCGACAAGCCGCTGGCAGCCGCGGATC
TCACCGCCGCTCAGGGTGAAGTCCCGCGGAGGGGCTGGACTCGGGGCCGTGGGACTGA
>EP73290 (+) Hs LOC51705; range -499 to 100.

AGAGCATAATCTATTTAATACAATTTTTCACTTATATCCAAAAGGTGGCCTTCTCTAATC
TGCTTTCAAGTTGGAAGAGAAAAGTTAAGTTGATTCTGATGGATTTTGCTCTAAAAT
TTAACCTCGGGCAGTGAAAGCCTCTTTATCCCAACTGAGTAGCTGCTAAATGAGGCCCC
TTTATAACCACTTCAGAATGCACTTTCAAAACAAAAGTTAGAAGGCCCTATGATCCATTC
TCAAGAAGGATCTGTTTCTGTTCAAAACAGTCCCGACCTTTCTGTTGAAGAAGACAAA
ATAATGTAGTAACAAAAACACAAGTGGCTGCCAAAGGAAGAGAGAGAAAAAAGAGTT
CCTGTAAGGGACTGAAACAATAAATCTCCTCTCTGCTGAACTCCAAAGGGAGTGTGTGT
ATTTCTCCCGTCTTTATCAGAGCCCCAAAATAAGTAGGAATGGGCAGTGGCTATTCA
CATTTCACTACACCTTTTCCATTTGCTAATAAGGCCCTGCCAGGCTGGGAGGGAATTGTCC
CTGCCTGCTTCTGGAGAAAGAAGATATTGACACCATCTACGGGCACCATGGAAGTCTTC
>EP73291 (+) Hs LOC51706; range -499 to 100.

TAGTCCCAGATACTCGGGAGGCGGAGCCAGGAGAACCCTTGAAACTGGGAGGCGGAGGT
TGCAGTAACCGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCGAGGCTCCGACT
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTATTGAATAAGCACCGGAGACCCTGAGCCACCGAGTAGCGGA
GGGAAAGGGTGGCGCGCAGAGGGGCCAGCCCCGCTCTGCGGACCCGCCCCCAAAAG
GCCCGCGCCGCCACCTCTGCTAGGCCCCGCCCCGACAGACACCCCCCCCCCCCC
GCCAGGCCCGCCCTCTGCCCCCAGCCCGCGAGGTCTGCCTCTGCCCGGCCCGCCCC
CCGGCCTGCCCCGCCCTCCGACCCGCCCGCGGCGCATTGTGGGATCTGTGCGCTTGTCA
GGTGGTGGAGGAAAAGGCGCTCCGTCATGGGGATCCAGACGGTAAGACCTCATTACGTA
TCCTCCACTGGGGGACCCCTCCCATCTGGTTCTGGCCACTCAGCTCCGGACCAGGGGCT
GTCGCTGCCGACCCGCCCCGAGGGCTCTGGGCCACCGTGATGCTGGGGTCCCGATC
>EP73293 (+) Hs POLE3; range -499 to 100.

CAAACCGCTTAGGGTTGCTAAATCAAGTGGTAAAACGTGGCCCCCTTGGCGCGCGGTGAGA
TTAACGGACCCGCGGGGCCAGAGCCTGCCTCGGGTCTTAAAGGGATCCGCCCGCCGAG
TCAGCCACGCCTTCGTCTCCACGCGCTGCGCCCGGCCGCGCCGTACCCAGCAGCGGCG
CAGGGCACCATGGGAAACGGACGGAAGCTCCATTGAGCCAAATAAGTTGGTGAGAAGGTT
CCCGACGCGGCGATGGCGAGAAGCAGAGAAATGGACCTGGGGAGGGGCGTGCGGGGTGCG
GTAGGGTTGGATGGAAGCCTTGGCGGGCCAAACCACTGCGGCTTCAAATCCGGATGCG
CCGGTATTTGAGGCGGAGGCGGGGCTGTGGGGGAGGAGGGAGGCTATGGCGCTCAGAGC
ACTGTGGGACACTGTAGGCCACGTGGGGCGGAACGGAACCTCGCAGGGTCAGACCGTAG
CGACGCGGGAAGTCCGACGCACTAGCTCCCTGAAGCGGAGGCGAAGGGGAGTTTAAGCC
CCAGCGGCGGCAATGGCGGAGAGGCCCGAGGACCTAAACCTGCCCAATGCCGTGATCACC

>EP73294 (+) Hs SLC38A2; range -499 to 100.

TTGCTGCCTTGCCCAAGTTTGTGAGACAAAACCTTCACTGTAAATCACAAAAATAACAAT
CAAGAAAGTGTTTGGTGGGAGGGTGGTGTCCCCCAAAGCCTTGATGTGTCCCCGAAAG
CAAGGACTGCTGGTGACTCGGACAGGAGAAAAATTTAAGGAGATGGCTCTCAAAGACAA
CCGCATGTGTTGAGCACCAACCTGGCTGAAAAGGATAGGCAGGGGAAGCATCTGGGGGT
CTTTCCAGACTATCTAGAAAGCTGGAGAGAGTGGGCTTGGGCTTTGCGGGAGAGTCTTGG
GGGCGCTGCGGGCGGGGCTGGGCCGCGGGCGCGGGCCGAGAGGGAGGGGAGGGAGGC
GGGGCCTAGGTCTGGGCGGGTGGAGGGCGGGGCCAGGTGGTGTGATACACAAAGAGAA
GGCGCCCGGGCGGCGCGGTCCGCCCCACTGACGCGTCCCCGGGGTGGCGCTATAACCCG
CCGCTCGCAGGGCTGTCTCACAGCCGCGCAGCGCCGCCCTTAGAACGCCTTTCCAGTA
CTGCTAGCAGCAGCCGACCGCGTTACCGCACGCTCGCGCTTTCCCTTGACACGGCG

>EP73295 (+) Hs P17; range -499 to 100.

ATTGGTCACCGCCCGCTAGGGGACAGCCCTGGCCTCCTCTGATTGGCAAGCGCTGGCCAC
CTCCCCACACCCCTTGCGAACGCTCCCTAGTGGAGAAAAGGAGTAGCTATTAGCCAATT
CGGCAGGGCCCGCTTTTGAAGCTTGATTTCCTTTGAAGATGAAAGACTAGCGGAAGCT
CTGCCTCTTTCCCACTGGGCGAGGGAACCTGGGGCGATTGGCTGGGAAGTGTATCCACC
CAATGTCAACGATTTCTTCTTCAAGGAAATGAGCAGACCCATCAATAAGAAATTTCT
CAGCCTGGCCGAAAAATGGTTGGCCCCACGAAGCCACGACAACTGGAGGCAAAGAGGGTTG
CTCAACGCCCCGCTCATTGGAACCAAAATCAGATCTGGGACCTATATAGCGTGGCGGA
GGCGGGGCGATGATTGTGCGCTCGCACCCACTGCAGCTGCGCACAGTCGATTTCTTTC
CCCGCCCTGAGACCTGCAGACCATCTGTCATGGCGGCTGGGCTGTTTGGTTTGAGCG
CTCGCGCTCTTTTGGCGGCGAGCGGCGAGGGCTCCCGGCCCGCGCTCGCTGGG

>EP73296 (+) Hs DDX49; range -499 to 100.

GCCGCACCTTACCCGCTGCGCTCGTTTATGCACTGCTGGTAGCTGCCGATGTAGAAGG
CGTTCTTTACGTCGAACAGCTCGTCTACCTCCCCGGAGCCGCCGGAGGCCGGGCCGGGG
CCGGAGGCGCCATTTTCGTGTCTTCTACCAAGCTCCTCTTCTGAAAGACACGTACGCCG
GAAGCAAGACACGGGCACGCTAGGAAATGTAGTTTACTTTTCCGAGCGGCGGCGAAGTA
AGCCAATGGGAAGCTCCACAATAATATGCAAGGGGGCGGAAGGCGTAAGTGCGTCACGGA
GAGCATCTCGGGAATTGTAGTGTGTTTCTGCAAGCCAATGGGATCCGGGGAAACATGATA
AGGATGCGGTGAGGCTGGGAATAGGCTGAGGGAGCTGGAGAGGGTGGGACCACGCAAGGA
GGCAGATCCAATAAACAGGAAGATTTTTCTGTGACGTCGTGCGCGCGCGCGGAAGCGC
GGATCACACGGGCCCCACAAAGGGGGCCCTACAAGCGGCCACAAGGATGGCAGGCTTCGC
GGAGCTCGGGCTGTATCGTGGCTCGTGGAAACAATGTGCGCAGCTGGGTTTGAAGCAGCC

>EP73297 (+) Hs ABCB8; range -499 to 100.

GGCAACCCACCCCTTACGTCAGAGATGTCCAGCAGTTCTGACGCACCTAGGAGAGCGG
GGTGGGTGGCAGGGCATATGTACGTGTTTTGAAAAAACTCCAGTCGATTTTTGTTCAAT
CCTCCCCAAAACCCGCTTACACGCCCTTGAGACGACGGGACATCTAGAGATCCTGG
AGCCTTGGGAAAATGGCCGAGGTGCGCGGCTGACGCTTACTATGGATACTCCATAGCT
TGGAGGGCCAGTCGGGCCACACCTTTGGACGTCACCCGGAGCCACAGGAGCACCTGGC
AAAAGCCAGGCCACTTCTGCTCGGCTCCGCCAGAGCAGGGGGCGGGCGGATAGGCGA
TTCCCTCCAATCACAGTTCCAAAAGGAGGGGGCTGACAAATATCCTCCAATCACAGCTT
GAAGTGAGATTGATGTGCTTTTACCAATCACCGCCAAGGCGCGAGGGGGTTGTGCGGA
TGGGGGCGGGAGCCAACATAGAGCCCTCAGTGGGATGAGGGTGAAGCTGCTATTGCCGGC
GGCTCCTGTTTTACCGCTCAGCATGCTGGTGCAATTTATTCGGGTGCGGATTCGGGGTG

>EP73298 (+) Hs ACAT2; range -499 to 100.

GAGAGCAAAGGACCCATCAGAGCTGTGCTGAGACCCGCCGCGGGCCGGGCTCGCACTCG
AGATTCTCGCCCGTGGGATTCCAGTCTGAGCTGAACGAGAGATAAGTCTTTGTACCCC
CCAGTCTTTACTGTTTCGAGAAACCTTAAGATTTTTTAAAAAAGCCCAAGAGTCAAG
TCGGGGAACCTCAACATTGGGGTGTCCAGAAACACTGGGGTTTCAGGCGCTCTGTAAATG
CGTCCGAGGTCGCGGTTCTGCCCGCAAGCCAGACCCCGGCCTCACTTCGCCCCGCGC
CCCCGCCCCGCGCTCACTTCGCCCCGCGCCCCGCGCCCCGCGCCCCGCGCCTCCGC
CCGCCCTGCTCCGGCCTTGCCTGCGCAGTGGGATGCGCGGGGAGGTGGTGCGCGG
GGAGGTGGAGGGCGAGGGGCGGGGCTACCTCAGGTCCCGCCCGCGGAGGCTGTGGGCT
GCGAGGAGGAGCTTTGCTAGCTTGCAGGCAGCGCAGGGCAGACGGCGGCAGGAGAAGCA
AGATGAATGCAGGCTCAGATCCTGTGGTCATCGTCTCGGCGGCGGACCATCATAGGTG

>EP73299 (+) Hs ACTR3; range -499 to 100.

ATGGATGTATGCCGCGGACGTTTTTCGATTAGGCCGTTTTCTCTCAGGCACTGGAGGATAT
TCGTGGCTGCAAGGAGGCGTTCCACCCTTTCTCAACCTAGCAAAGAAGTAAGTGAAGCT
AACCCAAAGGGTTACAACCGAAAGGCCCTTCCAGCTTCAAGAGCAGAACTGGAAGCTCGG
ATAGACTTCTCCGCTCTACACTCCTGGAAAACCCGAGTGGATTTACCAACTTCAGGA
TCGGAGCCCAGGCAGGCGAACGTACCTTATTGCGCATGCTCGCTAGCCCTCCCGCTCGG
AGCGGAAGGGGAGCGCTGGGGGCTGGGCTGGCCTGGCCGGGGCGTCGGCACCGGCGG
CCATCTTGGCTTCCCGGGAAAGGCGGCGTGAGGGGAAGAAGTTGTAGGGTGGGGGAGG
AGTGAGGAGGAGGAAGAGAGAGGGGGAGGAGGCCGCGGGGAGGGCAGGGCGGGGACTGCC
TGCTGCTGGGTTGCGGAAGTGATAGCCCGGACCGAGCCTGCTGCTTCTTGCTACTG

CTTCGGCTTCCCGGCTACCCCCCGACGGTGAAGGCGGCCAGCTGTGGATGGTCAGATA
>EP73300 (+) Hs DSTN; range -499 to 100.

CTCCCCCTCCAAATCCCCCTCTTCCACACTCTGTACCCCTCTCCCCGGCTCTCCCCCTC
CTTTTCCCTCCACGGCTCGCCCCGCCAGCGGCAGGCACACCTGGCCAGGTGGCTGC
CTCCCCGCGCGGCCATGCCTGCACAGTGGGTGGGGCGTCAGGTGGCCCCGCCGAGGAGG
CGAAGGAAGGCCACCCCTCCCCATCATCTTTGCCGCCCTCGCCAGCAGGAGCCAGC
CCAGTCCGCCTTCTAGCCTCTGCAGACCAGAGAGGACGACCCCCACCCCTAAACACTT
TCTGGTGAGGCGGACCCTGCCCGCAGCCTTCAGCAGATGAGGGAAGCTCCCTCCGAGA
CTCTGGATAGCCGCCGGGGGGCGTTGCCCTGGCCGGCTGGTTGCGTAGCAACGGCAGGCG
GTGCGTGACGTGCGCAGCCGCTTCCGTCTGAGGCGCGCCCGCCCGGGGTAAAGCTCGC
GCCGCCGCGTACGTACGCGTGGGTCTCTCGGTCCCGCAGCCGTGAGGAGGACGGTCTG
CATACTCGCTGCCCCGCCGGCTCCCTCCCCCGCTCCCTGCGACCGCCGCGCGAAGATGG
>EP73301 (+) Hs AF1Q; range -499 to 100.

AGATTTCGAGAAGCACGCCCCCACCCAAATTTATTGTGCTCTACCCAAATGGAATAG
GACTAGGTTTATTTACCCATTGTGAGGGTAGAGAGGCGAGTCTGGAGGAGCAGGGATTGG
GAGAAGGGGTGAAAAATACTCTGATTTCTAAAAATACTTTGTAACCTAAAGTCTTAAA
TTGTGGAAGAAAGGAATACTCTCTTTCCATTGTAGTCTAGAGTTAAGATTTCAAATCC
ATAAATTAGAGGACCTAAAAATTAGAGGGCAATTAAGTCTCATTATTGGGCCCCAGTC
AGCACGGGGGTGCTGGAAGAGATCGGGAATAATAGCGCAGACCAATGAGCCTAGGGAGAT
GCTTTTCATCGTCTCTCCTTCCCTCAAGTGTCTGGAACCTATCATTGAATTAGCCGAGT
CAGGCAGGAGGGGGCGGGGAATCCTTCCGCCCTTCTTAGGAGGGGCTGCATTGCAGGGGG
AGAGTGAAGTACAGACTCAGTCACTGAAGAGGGAAAAGGAGTGAGAAGACAAAGCCGTC
AAAGCCCCAACAGCTTTGTATTTCTCCAGCCCGCGCAGACCCGGAGCTCCCGAGGCAC
>EP73302 (+) Hs PRDX4; range -499 to 100.

ATGTCTCACCATAAAAGTCATAGGTAAACAAGGCGATGGATAAGTTAATGTGATGTAATC
ATCCACATTGGATACATATTTCAAAAAATCACATTGCATCCACGAATGTATACAATTA
TGATTTGTCAAGTAAATATAATTTTTAAAAACGTTAAGTGACTTTTTAAAAAGCTTATTA
GAAGTATAAAATGCAAGCCATTACAAAGCATATAGGTTAGATTCGCTTGTGAGGGGCTT
GTGTGCAGTGGTGAGGCTTTGTGGAAGAGATGGACGTGGAAGATGTCTAAAACAGCGCG
GAGGTCAGGAGACCTTGTGCTGCCTTCACAGAGTTGGGCAACGCTCCCGGTCTGGTCA
GCCGCGGGACGACGGCGCAATGCAGGCTTGGGATGGGGGAGGTGCGGCCGGCGCCACG
TGCGGGGGCGGGGAGCAGATAGGGGGGGTAGGGGGAGGAGCTGGTCTCGCGAGGCCGCG
CCCGGTTCCGCGGGGCGTCTGTCACGCGGTTGTAGCTGCCGCGGGCGGCAGAAAGCGGCG
CTCGCGCAAGGGACGTGTTCTCGCTCGCGTGGTCAATGGAGGCGCTGCCGCTGCTAGC
>EP73303 (+) Hs AUP1; range -499 to 100.

ACCGGGCCAGAGACTGGGGTCCCATAAGTCACTCGGGCCCGGGGTGAGAAGTTCCTG
ACGTCAGCAGGGCCCGAGGTGAGGGTCAAACGGGGTCTCCTCCCCAGCGAATGCCCC
CCAAAGCCCGCCATGCCGAAGGCTCCAGCCTGCACCCCGCCCCGCCCTCGGCGCAGCCA
TCAGTCCGCTTGGCTGCCTCCTCGCCGCCCTACTCAGAGGCGGCACCCAGGACGCGA
GCAGGCGGACAGTAGGACGCGGGGCACGCCGTACCTGAAGTCTTCAGAAGTGCACGCC
GGGACCAGGATTCCGGGAGGCCGACTCCTCCTGCCCCACGAATGCCGGAATTGTGGTC
TCCGCCGACGCGAGTTGTGAGACGGCCCAAGGGGCCGCGGGGTATGCTGGGACCGTAG
CCCTTCCGGCGCGCCTCAGGACTTCGGGTCCCCTCACCCGGGCGGATGCCCAAAGACTC
CGCCTTCCCAAGAGCCCTGCGGCCGGGCGCGAAAATGGCGGCGGGCGGACGGCCGGG
GCTCCTGAAGCAGCAGTTATGGAGCTTCCCTCAGGGCCGGGGCCGAGCGGCTCTTTGAC
>EP73304 (+) Hs BLCAP; range -499 to 100.

GCCGAGGCCTGACCCAAGGCAGTCCCAAGTTCTGAGCCCGGACCTTTCAGCTCCTGAGCC
TTGGCTGCATGATGAAACGCTAGGGAGGGGGTGGACTTTGAGCCACGAGAAGTTTTCC
GGAGTCCACGGACCATCCACGCGGGCAAGAACGAAGCGGGTTACCAACATGAACACAAC
CCGGCCCCGCCAGCGCTCACGGTAAGGATCACAAATCTGCTGCATATGCATGAGGGGAC
CCGGCCGCGCTTCCGGGCTGTCCACACTGCGCTGATAAAAAATTATTCGGGCTTGAAGAT
CTCGGGGCTCCAGAGTTTGTAAAAGTGCATACAAAGTCTCAAAGGTGGTCTGTGGCT
GATATTTACGGGAAATGGGGCGAGGATGAGCCCCACTTCGGACCTTGTGATCAGGCGTT
TGCGGTAGACAGCCGATCCAGGATGGGTCTCGGCCGCTCGACTAGAAGACTAAGGG
GGCGTCTCCCCGGCTTCTGCGGCGTGGTGGCGAGCTGAGGTGGAGGCAGGCTGCGGCA
GACGGCGACAGTGGCGGCGGCGCATGGCAGGGCTTGACAGGTACCGTGGCGTCAACCTGC
>EP73305 (+) Hs BPNT1; range -499 to 100.

AAAAGGTAAGCAAGCATCTTTGACACAATTCTGCATAAAGTTGCTGTGTTATTGCGTGGG
GAGTGGGAGGTGGAGGTGTGTGTGGTGGACCTGTGAAGCCTGTCCACGGACCGTAGGG
GTTTCAAGTTAAATAGCCGCAGAGTGGTATCACTAATACAAAGAACATTTTAAACAGTG
AACTCTACGAAGTGGGCTGGAAGACAGCTGAAACCAAAACCAATCTTTTTTTTGTTC
CACACTGTTGCTGGCTTAATGTGTTCTTTCTTCTTTTCTTTTTTTAGCCAATCTT
TGAAAGTTGACACATCTTTGCTTTTATTTAATGCAACAGGTGACTTGACCTACGGAGA
GCTTGAGAAAAACGACAGTGAATTTTCCCGGGATCAGGAGTCTAAAGAGGCAGT
GTGAAATCGCTGTTGTGCGCTTGCAGCAGTTTCCCGCATGCTCAGTAGCTGAGGTAGGG

ATGCCATCCTTCTCAAAGACTTATTGACAGTGCCAAAGCTCGGTACTGGACACAACGAG
GGACCTGGGTCTACGATAACGCGCTTTTGTCTCTCTGAAGTGCTTTGGTCCAACGTTG
>EP73306 (+) Hs CARP; range -499 to 100.

GTGCCTTTAGGGCCAGATCCCTTCCCCTCAGGCTGTTTACCCAGGGAATAGGATGTCCT
GGGACAAGTTTCCCCTAAGTGAAGTGTTGATAAGTCTGCTTATCAGAAAGATATTACTGG
GGGTGTGATATGTAGGGCATCTACATTTTCTTGATAGGTAGTCATATGAAAGCTGACAAA
GAAAAAAGGGCAGTGATGTGGTGAATGTCAACAGACAGCTGTCCCCTGACTCTTGACA
AATAGGATGACTTGCATTGCTGAGCGATGTGATCACCACCAAAGGAATGGCCCTCTCACA
TTTCTTCTGATTACATATTCAGCAGGGTTAGCTTGTCTCTCCCCTCCCCTCTTCAGCTTC
CCAGACACTGAGTCTGGAATGAAATTCACCTGCCTCTGAGTTGGCTCCTAATGGGGGTG
GGAGTGTTACTTCGGTTCCCAGGTTGGAAGATTATCTCACCCGGCCCCAGCTATATAAGC
TGACCGGTGTGGAGGGGCCAGCAGGGCCAACTCCAGGGATTCTTCCACGACAGAAAAA
CATACAAGACTCCTTCAGCCAACATGATGGTACTGAAAGTAGAGGAATGGTATGTAAGA
>EP73307 (+) Hs ALDH3A1; range -499 to 100.

ATCTCTGACTCAATGGGGCCCTGTGCACACTGGGGGATGTGAAGGGCCCGGGCAGCGGT
GGCTGGGGGTGCGTTTCGGGGGAGCTGCATGCTCTACTGTGGTTCTGTGGCTGAGCCCTG
CCGATCTTATGTAAACAGAGAACTCAGAGAACCGCATCTGGCAGCGGCAAGTCTGGAAAG
CTGGAAGAGCTCCATGCCAGGCTGAATCAATCAGCAGCCCCACGCCAGGGCAAACATA
GGCTCTTTTGAAGATTGGAGATGTGCCCTGCCCAAGCCTTCAGAAACATTCTCGCATTTT
AGAAGTGAACAAAAGCAAACAGCCCGGACCTAATCCCCAAAACCTGGGCTGTAGGGAGC
AGAGGTCCAGAGGACGCCACACCCACATTTGAATATTTTTTTTTTCTTGTACGCAAAC
TCTGGGCAGGAACCTCAAGGGCTCAATGGACGGGAAGCAGGGTCTTAAATACGTCCCC
TCTTGGCTCTTGCCGTTCCAGGAGCCCCAGTTACCGGGAGAGGCTGTGTCAAAGGTAATC
CTCTTCCCTGCATTCTTATTTTTTCTTGTCTAGGTGGAGTCTGCACTCAGAGCCGGG
>EP73308 (+) Hs FKBP1A; range -499 to 100.

ACTTTTCACATGCTCAATAAGAAATGTATGCATGTAAGCTATGGGTGAGTGAATGAATTTGG
ACAACTCCTCTCCAGTGAAGAAAAGCAGAACTTACAACCTTGAGCCACTTATAAAATAC
TAACATACTACCACCACCTGTGCGCTGTCTTCTCAGAACCATGCTCTTCCCAGGATGAGT
AACTGTGTGCTTCTAAGTGGAAACCTGATGACAGTCACCAGTCAGTGAAGTGGCGGACCC
CCTATTACTTCCCATTTCTTGGGCAGGGAGATGCTTAACCGGTGGAAGCACAGAGGA
AGGGCAGGAGAACGAAGCAAGTCACCCGGCAAACACAGCTGTATCCGGAGGCCTCCGGGC
TTCCGGAGGTCTCGGGCTTCTGGGCTTCCGGTCCCTCTTCCGGAGGCCTGGGTTTCCGG
GACGTCGCGCGCCGTGTGGGGCGCGCACGACGAGGCTGGGCGTGAGGGGGCGTGCGCGTGC
GCAGGCGACGCGCCGAGGTACTAGGCAGAGCCGTGGAACCGCCGCCAGGTCTGCTGTTGGT
CCACGCCGCCGCTCGCGCCGCCGCGCCGCTCAGCGTCCGCCGCCGCGCCATGGGAGTGCAGG
>EP73309 (+) Hs CD68; range -499 to 100.

TGGAAGCCATGTTCTCGGCTCTGTGAATGACAATGTGACTGGAGTGCTGCCCCTCTGT
AAAGGGCTGGGTGTGGATGGTCAAGCCCTCACATGCCTCAGCCAAGAGGAAGTAGTA
CAGGGGTGAGCCAGAGGTCCAGGGGAAAGGAGTGGAACCGATTTCCCACCAAGGGAG
GGGCTGTACCTCAGCTGTTCCCATAGCTACTTGCCACAACTGCCAAGCAAGTTTCGCTG
AGTTTGACACATGGATCCCTGTGGATCAACTGCCCTAGGACTCCGTTTGACCCCATGTGA
CACTGTTGACTTTGCCCTGATTGAAGCAGGGCCAACAGTCCCTTAACCTAATTACAAAAC
TAATGACTAAGAGAGAGGTGGCTAGAGCTGAGGCCCTGAGTCAGGCTGTGGGTGGGATC
ATCTCCAGTACAGGAAGTGAGACTTTTATTTCCTCTTTTCAAGAGAGGGCTGAGGGAGC
AGGGTTGAGCAACTGGTGACAGACAGCCTAGCTGGACTTTGGGTGAGGCGGTTACGCCATG
AGGCTGGCTGTGCTTTTCTCGGGGGCCCTGCTGGGGCTACTGGCAGGTAAGGAGGAAGGA
>EP73310 (+) Hs COX7B; range -499 to 100.

AATAGCTTTCCAAAGTTATTTTATCACGTATTTATCTACATATTACAGAAGTTTTTACTG
TTCTTGCAACTTTTCTCTAACTTGACGTTATTTGAAAACATAAAGCTAAGCCAATTAGT
ATAGTAGTAATAGCAGACAAAAAATGAGAGAAGTAAAGGAAGTTTTGGGGGAACAGAA
AGAAGAAAGAGCTAGTGTGGAGATACTAAACCGAAGCTTGTGGAACCTGAACGCCATTTT
GAAGCTAGTTCTTAGACGATTTCGGTGAAGATCTGTCTCTCGGCTGCCCTCTATAGAGC
TCTAAACCTGGCTTCAAGGAGTTCTTTTATTCTTCTTATTAGATACCACCCACCATACTCA
TTTTATAAAGCCGGAACCTACATTTCCCAAAGGCCTTTATTTTTCTCGCGGAAAAGG
GATTGCAATTACTATAGGTTTTACAGGTATCGCGAGATTTCTGCAATCTCATTACGGAT
CCCGGCTGAAAGCCATTTTGTTTTTAGCTCACTTCAAGGGTACCTGAAGCGAATTGGCA
CCAAAGCAGCAGCTGTATTGCCGAGTTCTAGCTTACCTTACGATGTTTCCCTTGGTC
>EP73311 (+) Hs GORASP2; range -499 to 100.

GGAGCGTTTCTTTTATAAAATTTAGCTGAGCAGATGCTAGGCAGCCACAGGAGGCCAC
TATTTCCCCTCAGCTGTACAGTTTGGGAAAATACCTACACACCCGGAGAACAGAGAGCTTG
GTGTGTGTTGAGTTCGCTCTGTTTATCAGCAGCCCTTTCCCCGCCTCTGGCCACCAGGG
GGACCTGCAACCAAGTATGTGTTCTTTTCAAGCGAGCGGGAACGCGTCTGCATAAATCTAG
TCCAATCCAGGGCCCCGTAGCAAGGCGCCAAAGCTGGGGGAAGCGCATTTCTGTTCTCTC
GCGAGCACGACGCGGTGCTTCCAGTCTCTCTCGGCCCTCCCTCTCCGCCCTCCCGGCC
CGCGAGCGCTCGGGCCCCCTCCAGTGGCTCGCGGCAGGTGGCGTGTCTGCGGCGTCGCA

GCGGCCCCGGGCTGCAGCAGAGACGATCTCCGGCGGGCTGTGCGGCCCCGCTCTCCGGCG
GCAGCGAGTGCCACGTCCCAAGTGCTACGCGGAGGATTAGAGCAGGCGGTGCGCTGGGGG
CGGGAGCAGCGCGGAGCCCGCTCGGCCACACCGATCGCCCGGCCATGGGCTCCTCGC
>EP73312 (+) Hs SDCBP2; range -499 to 100.
ACAATGATTTATTCAAGCAGACCACAGAGATGGGCATTTGGGATTTCTACATTTTCCTTA
CTAGAAGCAGCAGTGATGGATGGGCCCTGTGACTCCACTGTAACAAATTCCTAGAAGAAA
TGCTGGGTACAGGATATGACCACTTTTTAATATCCTGGCCTAGACCCCTAGATACCTAT
CACAAACCGCCCTCTAGCCAACTGCCTCGATCAGCAGGACTAGGTGTCCAACCCAAATTT
AGAGCTATTTAAGAAAAGGCCAAGAAGTCTTGGTTCATAACCGTCTGAACAGCAGCTGTG
AGGGCCTTAATCCACCTCCAAATCCAGACTAAGGCCAAAGGCCTCCTCTGGGCTGGCAA
CCTGCCTTGTTTACCCAGCCACAGCCCTCACCTGTGCCCATCCCAGTCCAAGGTGAGTCA
GCTGAACAGGGGACAGGCACCACTTCCAGATCAGGAAGCCAGCTGAGAGACAGGGCT
ACGTTTCAGGGAGGGAAACAGATTACAGCAGCGGCAGCAGCTGGAGAAGGTCGTGGAGCAG
CACCTTGCTGCAGGTAAGCGCTGGGGGCCCTGACCAATCCTGGCTGGGATTGGGATGA
>EP73313 (+) Hs LR8; range -499 to 100.
ACCTGCGCTCCTCGGACCTGCGAGCGGGCGGGAGGGCTGGGGCGCTGGCTGGAGAA
GTGGGTGAGAGTTGGAGGGGAGGCGGGGAGGGAGGGCGGGGCTGGAATTCAG
CCCTCGGGTTTCATGACAGGCTGACAGGGCTGGGGTCCGTCTGGGGTTCTCCTGCTGCGC
GAGGGTCACTGGGCTCTGGGGAGCTGGGAGGGTCCGCGGGCGGACGGCCCTGGGAAAGCC
CGTGGGGTCTTCTCGCTCCAGCCCCGCCCGGCCAGGGCCGGCTGCAAGTGTGCGCGA
GTGGGAGCGCAGGGGGCGCGCGGGGGCTCGGTCTTCTCCCGCCCGTCCGCTCCTCCGGG
CGGAACCCCTTTGCCGGGCCCGGGCCGACGCTGGTTTCGGGAAACCGCGCAGCCTGG
GCGGGGCCGAGCCCCACCCGTGCATCTGCCGTCTCCGCCCTCCCGTCTCCTCCCTGCT
CGGGGTCACTAGTGTCCGCTCTGCTCGGCCGCGGGCTCCCGGAGGACTGCAGGTGAGGC
AGGGCCTCCGCGGCCCGGGAGACCCTCTTGCCGCGAGGACCCTCTGTACGAGGAGTCCCC
>EP73314 (+) Hs HIP; range -499 to 100.
AGTGAACCCAAGATCGTTCAAATAAGCGCATCGACATAACAAGATTTAGAAAAGAATAAG
CACGGTGTGTGAGAGCAGCTAGCGGGGGCTGGACTGGGTCCCTGCGGCCAGGCTTCCAA
GTGAGCTGCGGTTTGGGTGGGACCAGAAGACGGGCTAGTCTGCGCCCCAGGATCCCTCC
CTGAGGACAAACAGAAGGCCGGGTCTCCCTTCTCCCGTGTCTTCCGCTTCCGCGG
ACCTGCATGTAGACCAGCTGGCCGGACAGCTCGCTAGGACCCGCGGGTGCAGCTGGCCC
CTACCATTTCCGCTTCTGCCGTGGGGCGGGGTTCCGGTTGTGCGAGGCGAGGCTTGTG
GGCTGTCAAAGGGGCGGCCCGGCCCGGGAAGCTACAGCAGCGGCGCGGAGACTGCG
GGCGGGCCATGGCGGCGAACTGTAGCCGGAACGGGCCAGCGCTGCAAGAGGCCTACGTG
CGGGTGGTACCCGAGAAGTCCCCGACCGACTGGTGGGCGGCGAGACGGGCCAGGGTCGGG
CCAGGGGCTGCCTCAGGGGTGGGTCTGTCTGGGGCGAGCGGGGACTCGGGGGGAGCGGG
>EP73315 (+) Hs OVC0V1; range -499 to 100.
CGTATTACTTCTGGATCGCCCAAGTTTTAAGTTGTAATGGCCCCAGCTGGCCTGAGCTCC
CAGAAGAAAAAGCCATGAGATACTTATCTTCGTGGTTTATTCCATGGTTGCCAGCATT
AGACTGGACATAAGAAAAACAATTTGTTTCAAGTAAAGTAAACAAGTTACCATTTTTTGA
TGCTCACTGTATGCAGAACTAGCAGGCACCGGGTTCCAAAGCAAGCCCTGATTGAG
CGCGGGAGAGACGACAGACAATTACACGGCTGTGCTCTGAGCCTGAGGGACTTCGCGGAGG
ACAAAACCTACGTGTACCTCAGAAAGACCAGACCACCTCAGAACCCGACCACAACAGACG
CCCCGCCCCGTGCTGCCCCGCCCGCCTTTTCGCCCGGCTCCGCCAGCCCTGGGTA
GCTTCCGGCGGAAGTTACCGCCCGTGCCGCGGTTCCGGCGCGGCATCCGGCCTCGCACTT
CCGGTGGGGAGATTCCGGCTGGAGTCCAGGGCCGAGGTGAGTGGGTGTGCGGCCGGC
CTCCCGGCGCACTCCAGAGGCTGGGGGGCCGGGGCTGGAGAAGGGAAGCGGGCTCCCCA
>EP73316 (+) Hs LOC51064; range -499 to 100.
GTTATTTACAGGAATAATTGGGGAAGTTGCAGAGCTTGACCTCTGGAACAATGTCTGG
TAATTGTTAATGCTACATCTTAGCAGAATTCAGGCCCTCTCATAATCCTAACTTGTG
GACTTTTATTAGTTTTATAAACTGGTTTAGTTTGGGGAAGGGCTATTATCATTTAACT
ATAAACTAAATTTCTCCCTATATTAGCTCGTCCCATGCTCAGGAATGACCAAGGGCAGTT
TGGAGGTTAAAGGCACGATGGAGTTGGTGAGTTCAGATCTGTTTACCTTCGTAATTTTC
TCACTGTTAAATTTTTGCAAAGGCGATTGCAGCGCCCCCTTGTCACACCTGCGCGCTCC
CCAAGGGGTCCCTACCCACCCCGCCCTGGCTGGGGGGCCGAGGCTGGCCCTGCCCCGCT
GCGCCGGAGGTGACCTCTACAGGGCAGTTTCTCTCTGAGGCTGCGCGCTAAGGCGGTG
GGCGGTCCCAGGCAGGCCCAGAAGCTGGGCGAGCTCTGCCGGGTTCCGGGAAAAGGAGCT
CCTGCTGCCACTGCTCTTCCGGAGCCTGCAGCATGGGGCCCTGCCGCGACCGTGGAGC
>EP73317 (+) Hs RPS27L; range -499 to 100.
AAATCTGCGCCTTGAAAAGGGAAGCCAAAAGGATACGAGCCTTTTCATAATCTCTCTGG
CACGTATTAATGGTTAATAATACTGTATTTTTAATACACAAAAGAAGAGAATAGTGGCA
TTGCCCGTGTGCCACCCCCAGAGCTAACCGAGAGCGCGGGGCCAGGGGGCCGGGGG
TGAGCGGCCCCCGGGTTCGGGGTGGCGCCGGCCCCGGTGGCCGCGGGCGCTCCCTCGC
CATGGCCTAAGCCCAGGCCGCTCCCCAGCCAGATTCTGGCCTCAGGCACTGCAGAGCCC
GCGGCGCTCGCCAACAAGCCGTTAGACCCACGGGACTTGGCACCTGGAACGCTACCA

TCCCCGGGTCTTCCCTGCGCCCTGGACCCGAGTACCCTGCTGCGGCGTCCCCCTACCACC
GAGAGGAGGGCCTAGAGCAGACAAAGCCCGCCCGCTCTCCAGCAGCTTCTATCCC
GGAAGTTGATGCCGAGCGCAGATCGCTTGAGCTTGCTAGCTGTGTGGGCTGGGAGGTCT
GGTAGGGCTGAGCTTGCAAGAGGATCAACATGCCTGTGAGTTGTTTACATCGGGCTCCGG
>EP73318 (+) Hs ADIPOR1; range -499 to 100.

GGCAGACTGAGGTCTAGCCCAGGGCCTGGCACATGGTAGGGGCTCAATAAATAGTTTGTG
GAAGGGAAGGAAGGACCATGCGGTTGAAGAAGAGATTAAGAAGTGTTCAGAGGTGAAAC
GACTAGCCTTGGGGACAGAGGAGATGAGATAAGGTGTATGGTAGAAAATTCAGCATTCCC
TCCCGACGTTCTGTCTCATTCTCTGAAATTTCTTCTCCATCACGCACCTCAGGCTGCGAT
AACGAGGTGGAGTGTAGAATCCGACGAACGTCTCTACCCCGGGGCGGGTGGAGGTTACC
TGGCTGCGGCGGGGAGGTGGGCGAGGCGGCAAGGCGGGGCGAGAGGGCGGGGCCCGG
GGCGGGAGGTGTGGCCGGCGGGCGCGGGCCTGTGATTGGGACTCCGCGAGAGGGCCTAGG
ATTGGAGGGCCAGGCAGAGCCCGGAGGAGGTGACGCGGCTGCGGAGGTGACGCGGGAG
GTCGCGCGCCCTTCCGGCGCGGGGAGGGCGCTGAAGATCGGGGCCGCTCGGCCGCAAGC
CGCTCCAGCGCCGCGGATGTAGCGCGGGGACCGCGCCCCCAGCAGAGCCCGCCTGC
>EP73319 (+) Hs ZDHC9; range -499 to 100.

TGTTTTTATGCCGATAAAGAGTAAAATCTCAAGTTGCGGTTGATTTTAAAATGCAAGCAG
GGCTGGAGAGGCCCATGGCAGACCTAGTTTGGGGTGAGCACCCGGATCTGTGAGCTAGTG
TTGCTTCAGCATCTCACTGTGTGTGTGTGCGCGCGCGTGTGTGTGTGTGCGCGCGCGC
GCGCGTGTGTGTAGGCTGGTTCCACCCTTGTGTGCCATCGGCACTACCCTTAACCTCC
GTCTCTGCGTAACTATATTAAGAAGGCAACACTTCACATACTGGCGCTCAGACCCCAA
AGAGAGGCTGGCAGTGGCTTGGCAGGTGGGCATGCAGCAGGGAGATGGGTGGAGGAGTGG
GCGGAGGCATCGTCGAGTGGCGTTAGGCCAAAACCAATGGCAGTTCCGGGATAGGGGCGGCC
GGGGCGGAGGCGCCGAGGCCGATCGGCCAATAGAGGGCGAGCAACTACTGGAGCGACCTG
GTGACGTGAGGAGCGTTCCATTTGGCCAGTGGTGGGCGGTTGCCACAGCTGGTTTAGGGC
CCCGACCACTGGGGCCCTTGTGAGGAGGAGACAGCCTCCCGGCCCGGGGAGGACAAGTC
>EP73320 (+) Hs SBDS; range -499 to 100.

GACCCTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAGACTGACTTAAAAAAAACCTG
TAAATAAAAAAGCAACAAAAAATGAAAAAGAATAAAACAAGGATGGCAAAATGTTGAT
AGCGGGGTGATGGGTACATAGAAGGTTTATTACATTTTTTGTCTACATTTTATGTTAAA
ATATTTCTATTATAAAAGGTGAGTAAATAAAATATTTATTATAAAATAATTCTATTAT
AAAAAATATTTATATTATAAAGTGGGTCTGGCCCTTGAATTCGCGGAACGAGGTGGTGC
CAACGCTGTGTTTTAACCCGGTCACTAAACATCCGCGAGCATCTGTGAGAGCTCTCAGC
TCATTTGGCGAAAAGTAAATACGCCAAGGAAAAGCACCTCCCTTTTTGGGCGTGAAAGATG
GCGTAAAAAGCCACAATACGCAGGCGTCATCGCTCACTTTTCCCTCCCGGCTTCTGCTC
CACCTGACGCTGCGCAGTAAGTAAGCCTGCCAGACACACTGTGACGGCTGCCTGAAGCT
AGTGAGTCGCGGCGCCGCGCACTGGTGGTTGGGTGAGTCCGCGCGCCGATCGGTGCTTA
>EP73321 (+) Hs LOC51125; range -499 to 100.

ATGAGCAGTTTGTGTTTGGGTTTGGGGAGGGGTGTTGTTTTTCTTTATGTTTTGTT
TTTTGTTTTGTGTATGAGTTGGTGGCATAACCCACACGTAAGCTGCGACGTCCAATCAA
GAACGAAAATGACCCCTCACAAATCAGTGATCGGGAACACCTGCCACAATCACTAGGGAA
GTGACACAGCCGGGAAACTCCGCCCTCACACCCCGCGCGCTCGCGCCGGCCGAGCCC
CACAGCTCGCCCCGGCCGAGCCCCACAGCTCGCCCCGCTCTCTCCTTCCGGAACAAT
CCCCGCGCGGGCGGAAGGCGGGGTGGCCCTGGCCCCGCCACATATTTCCCTTCCCTCG
GCCCAGCCCCACAGCGCGCAGCTTGGCAGGGTGGCTTTACGGCCGGAGGAGAGGGTGGG
TCCCAGACCTGAGGTAGGAGCGCAGCTGAGGGGCGGGGAAGAGGCTTTTTGCGGCAGGA
CGTAAGTGACGGCGAAGGCGGTGCGACAGCAGCTGGAGGGCAGAGGAGCGGGTTTGTGT
TTCCCGGGCCGAACCGGTTGTGGGGGGCGGGGCCCTGGCCAGGCGGCAGCTAAGGCC
>EP73322 (+) Hs CPS4; range -499 to 100.

GGACAACTGGAATGTCTGACCAACATTATAAAGTGACAGGAGTGGGAGGAGGAATAGG
GACATTTTAATTGTATTTCTAAAAAGTATCTTCTGTGGTGAATCGGAAACAAAACCTATT
CTTTACCACAGGCAGTTTAAGCGCTGCCTGAAAGATCGAAGGACGGTAAACCACAGACGT
GAGAAACGGAACTTTGCGAAAACGCAGTCGTTTTATGTACCGGCTACTCATTGGAGTTAC
ACCAGAGACTCACTACTGGAGTTCATCAGCCAATCAAAGTCCAAGCGTGAGAGCCAGAG
CCTGTAGGAGAGACCTGGGCAGGCCTCAGACCTGAGGAGTGAGACTCCGCATCACTCAAC
CCTGGGGGCGGAGCTAGCCCAGGCTCCCACACCCGACGCTCTGGCCCACACAGACGCTAC
TCTGTAGCATCTCAGGTTCCCTCTGGCTGCACTCTGGAGGACCACACTCGTTTTCTTTT
GGCTGCCAGAGGCCCCCGCATCCACCGCTGAGCTGGGAGAAAGATGGCGGCAGCCGTGCG
ACAGGATTTGGCCAGCTCATGAATTCGAGCGGCTCTCATAAAGATCTGGCTGGCAAGTG
>EP73323 (+) Hs LOC51185; range -499 to 100.

TTGAAACTACTGAAGAAAATCAGCAATAATTCAACCACCTCGGAATAACTGATGGATTT
CCCCAGCCTTCACATATATGCTTCTTATTTTAAAGAAATGAACTAATGCTGCATGAACAG
GTTTCTATTTGCTCCCTGCCCCCTTCGTTTAAAAACAAGGTGGAGACTAAAGGCTCTCAG
CCTCAGTTTCTCATATGCAAAATATCAGGATTAAATAAGTCATGCTAAGGGCTGGAACA
AAGTGAGGGCTCTGCAGCGTGTACGCCGGGCACTCAGCCGTGGATGGCAGGGGACGGCGT

TCTGTCCCCGGGACGGAGCGCAGGCCTGTAATTGTCCCTCCCGCCTAGGCCATCACTTTC
AGGCTTGGGTACGCGCCGCCGTCTGCTCCCTGGGGCCGCCAGGGGGCGCTGTGGCCCCG
GTGCGCGGCAGCCGCGGACACGGGCCCTCCCTCGGAGTCTTCGGACCGCCCTGTCCCA
GCCTCCTTTGCGGGTAAACAGACATGGCCGGCGAAGGAGATCAGCAGGACGCTGCGCACA
ACATGGGCAACCACCTGCCGCTCCTGCCTGGTAACCGCCCGGAGTAGTTCCCTGTAGTCG
>EP73324 (+) Hs VRK3; range -499 to 100.

ATCAGGACCAGGCGGCATCAGTTTGTAGTCCAGATTTTTACCTTGTTAAAGAATCATCTA
ATTAGCTTCTTGCTTTTACTAGAAGTCAGGGAGTGTTAACCTTTTCCGAAGAGCAAGCGG
TAGGTTGCCATGAAACGCGTTGTGACGGGTTTCTGAGAAAACAAGCGGAAGTAAGGGGC
GGAGTTGAGGAGAAGTTTAGGTAATGTGACCTCTGATTGGTGGAGAGGTACCTCACGGT
GCATTCCGATTGGTCTGACACTGACACATGCGCAGTAGAACCAGAAGGCGTTCCAAAGCG
GCTAGAACGGAGGGGAGGGGGATGAGCAATGAGGGAATAATCCCCATTCCGCTCTGGAATC
AGAGGGCGGGCCTGCCGCGGAGGCATCTGGGAAACGGAGTTCCAGGCAGGCGAAGCCCA
GGGGCCGTCAGGAAGTCAGCGGCGCCTGCGCGGGCGCCTCAGATTCAGGATGCGCGCGCA
GCGCTCTCCGCCAGCGGAAGTTTTCGCTGGGCAACTGAGAAGGTGAGTCCGGGTAAGT
CGGAGGATCCGAGGGTCAGGCTGCAGAAGCCAGAATCCACCCAGTCCCAAGTACAG
>EP73325 (+) Hs PAIP2; range -499 to 100.

TTAGTTTATTATTTTTCTGTGTAGGATCTTGACGTGACTCGGTGCATGTCGCTGTTTGT
GTGACATTGTGTATCATTCTTGGGGTGTGTATGGGTATGTGTGTGCTATGTCATTACCTA
AATATTACGTTTTTGGGGGGTGTGTATGTCTGTGAAAGTCCACGCCTGTGTATCTTGT
CAGGGTGCTCTTCAGTCCCCAGCTGCCTCACTCATTGCATATCATCATTCTCGGAAGATG
GGCGGGTGTGGGAACAGTGGTACGCCCCATTCTGCCTTCCAGAGAGAACGTGCGACAG
CGTTCCTGCTACACCCGGCAGCGGCCGTAGGGGCGCGCTGGAAAGGCTGCTGCGCGTGC
ACACGTGTGCAGCCTTGGAGACAGACTTCGGGGTTCGCGCGTTCGCGCGCGCTCTCTAG
TGGCTTCGGAGGGCAGAGCTGACAGAACAAGAGGGCGGGGTTGGCGGCGACGGAAGTGAA
GTCACTTCGGGCTGGGGTGTGTTGTTGGACTGGAGAAGGGAGGCGGCGGCGGAAGCGCA
CGTCGAGCGGGGAGCGGCGCTGCCTGTGGAGATCCGCGGAGGCCGACAGGATTCGTTGG
>EP73326 (+) Hs UBAP1; range -499 to 100.

GACCTCCCGGGCTCAAGCGACCCTCCTGCCTCGGCCTCTCAAAGTGCTGGAGTTACAGGC
GTGAGCCACTGCGCCCGGCCTAGAAGTCACCTTTCAACTTAGTCCTCTATACATGGGAAA
AGTGAGGTCCAGAAAGGGTATGAGTTGTACCAGGTCGCTGACCCTGAACAGAAGCTAGAT
GTCTTAATTCCAAATAGGACTCGCTGCTAACTCTTTGGGCATACCTTCGCGATTCAAGG
CTCTTGGGTTTCCCGCTTTGGCCGCTCGCCAAACCCAAAGTCTTACACTCTTAGTGACCC
CCTCCTTTCTCTCTTCCCCCTTAGGTCAGCAGGGTTTACTCATTCCAATTGCAATGCTCC
ATGTTGCCGGAGTAGCTCCTCGCTAGAAGAGAGATTAGTTATGTACCCGTGCGCTCCTCC
CATTGGTCCGGGCGTGTGGAGCGCGGCCATGACGTGACAGCGCCAAATGAGTGGGGCG
GTGAGGGGAAGGAGGAGGGAAGTAGGACTTCAACATGGCGGCTGCGGCACTGGCGGTGGC
TACGGTGACGGCTGGCCCGAGCGGGCAGAGTTGGAGGTGGTGGCGTTCGCTCTCCCTA
>EP73327 (+) Hs HSPC016; range -499 to 100.

ACCACGTGATATAACTCCCGTCCACTTCTGCCATCTCCCGCCTAATCTCCCTCCACCCA
AGCTGTGCTTTCCTTGGTTCCAGGAAAGCGACGAGCTTGAAGCTCTTTGCACATGCACAT
GCCTGTCTGTCTACCTGCAGTGCTCTTCCCGCGCACGGCCACAGGCCTGGGAGGCCGTCC
GGTTAAGTACCCTCCTACGGTTCCGATTCTACCCTGGCAGGACAACCCTAGCTCCTCGT
ACCTGGCGTGGCCCGACCAATCGTCTGCCACTCAGTTGACCTCTGACCTGTTAGTACCCG
CCCCTGGAGCGCCGATCCGGTAGCGAGAGTTCAACTTCTGACTAGGAGCCAATCAGCG
GGGCCGCTCGTGTCTACGACAGAGGGTGGGGCAGACGCTCCGTTTCCGGTGGCAGGGT
CTGGGGAAGCGGCGGACGGGCCATGTCCGGCCGCGAAGGTAAGTGTTCGGAACCGTGA
GGACTGCGGGGACGGCGGGGTGGGGACCGGGCGGAGGGGACGGCCGAACGTGCTCGTGT
CGCCACAGGTGGCAAGAAGAAGCCACTGAAACAGCCCAAGAAGCAGGCCAAGGAGATGG
>EP73328 (+) Hs HSPC148; range -499 to 100.

GTGGTTGCCCGGTACATATTTGTTCTTTCTCATATCCAATTAAATGAAAACACTAGTTT
TTCCGAAGCCCAACTCTCTAGGTTTGTGTTCTAGCTCAGGAGAAAGGATGGAAGCAGG
AGTCGTTGGATTAAACAGTTTGGTGAATCCTTTTCCACGCTCTCTCCCGCTAGCCGGG
GACGTGGTGTGCGCTACCCGGGGCTTTCCGTCCACGAGTACCGGAATGAAGGAGTCTGG
GAGGGGGTGGGGACGGAAAGACGGAAGAGACATTAAGTAATTGGTTCTTGAAGGTATA
AAATGAGGTTTAGGGTCTACTCTAAGGCACTGATTTCAAACGCCCCGCCCTGGGCCGCT
TCGGCCCCGCCCTTAGTGCCGTTACGCCGACTTCCACTTCGGCCACTGCGGATTGGTCG
TTGCTTCCGCCCCGAAGCGCTTGGATTTGCTTCCGGGTGCTAGGCGCTAGCTCTGGGC
GCAGAGGTTTCTGGGAGCCAAGAGTGGTAATGGCGTCTGTATGATCTTCGGAGCCTGCTG
CATCGGACCTCGGCCAGTGTGAGCGGCAAGAGGATAGGAGATTATCTTTCTTATCGCGAT
>EP73329 (+) Hs C200RF111; range -499 to 100.

TCTAGCATCACGAAACTCTGGCCAAGCGCTCAGCCGGGGATTGTCTGCCATAAAGACCC
CCGACCCCTGTCTCGCCCCGCCCGTGGAAATCCTCTGCATAGGTGACTCCACGTAGA
GGACCGAGCGCAAGGAGATCCCGGGCGGTGGAGGCAGAGGACTACTGTGAAGAATGACG
CCTACTCACTCACCTAACAGAGAGGAGGAAGCAGGCACGCCCAAAAGCGGGTCGGGAGC

AAATCCACGCCACTGGGAGGAGGCAACCGAAGAATAACAGGAAATTACGTAAGGCGCAC
GTGCTTCTGAGGGGGGCGGGTGCAGGGCGTGGAGAGGCGCGGCCGCCCTGCGTCTG
CGCAGTCGTGCGCTGCCGCGCTGCCGAGTCACTGGGGTGGGAGGAGCATAAGCAGGGGGA
GGGGTGCATGCCGAGTGCAGGCGCAACGCGACTCCCGAGGCGCGGGCCGCCCTTG
GCTGGTTTGATCCGGGTCACTCGGGTCCGAGATTTGGGAGAGACGCTCTGAAGTCACT
GCCCCGCATACCGGAGCGTCCAGCTGCGAGGAGGTAAGTGCCCTGACGTGACGGGGAG
>EP73330 (+) Hs C140RF129; range -499 to 100.

GGCCTCGGGTAGCGACTCCGGCTCCAGGCGCGGGGGCCTAAGCCTGGGGCGGGCCC
TCCATCCCTATTTGGTGCCGGGAGTCCCTCAGGGAGACCCATCGCCGCGCGCGACCGC
TCGCGCTGGGCTGGCGGAGGCAAGACGAGAGGGGTCTCTGGCCCCAGGCCAGGGGA
CTTCCGAGGAGGGTCCCAACCGGCTCGGAGAGAGTGCAAGAGAGCGCGAGAGGAGGCGC
AGGGGCTGAGGCAGCCACCGCCACTGCCGCGCGCGACGAATTTGTTGTATCCGCGAGG
CGCGTTCCCGGCTGTAGGGACGCTCTGGCGCGTTACGAGACCCAGACTCCCGGCGCGC
CGCCGGGCGCTGGCGGAAGTGACGCCACACTGGGGCCGCGGAAGGCGGGCAGAAGGGCGG
GGGCTGGAGCAGTTCGGCTCCGAGGGGGCGGGGCGGAAGAAGGCGGGGAGGGAGGGGGC
GGCACC CGCGTCCGCTCCAGTGCCTCCGAGGAAGGAAGAAGAGGACGCCGGGCGCGC
AGGTGAGCGGCAGCCGGGGTGGCTGCGGGCAGGGGGCGCCCCGAGAAGGGCTAGGGGC
>EP73331 (+) Hs HSPC251; range -499 to 100.

GTCAGGGATCACCAGATACAGCGCTCTGAGGGGAGGAAGATGAGCTGAGGGCCAAAGGCC
GCCTGCTTCTCACTTACCGCTTGACGCAAGGCTCCCGGCGTGCCTGCTGCTGCCCGC
TCCTGGGCCAGACCCCGCTCCCAACAGCAACTCATGCCGCTGCCGCTTGACTGGAACCAG
CGGCAACTCTGGGCCCTTACGCTTCTGCTGTTCTATCATGGCGCAACCGGTCTCTTCAG
CGCCGCCACTGACCGCGCTGCCGCTCTCAGGCGCCACGCAATTGGTTCCAAATTAGTCCT
TCCTCCACAACCTCCAGCTTGGAAGAACCAATCGGCTTTCAATATTTCCATTTGCACCGC
CCTCGGATAGTCTCTTGTATTGGGCATATCTTTCTGACGTGATGAGAGTGCGATACCAG
GATTGGTGGACGGAGCTGGCGACCGCCCTAGGCGCGCTGGGTCTTGTGGGTGGAACCGC
CTGGCTGACTGGGGTGGCGTTTAGTTACGCGCAGCGACTCGGGGACCTGGAGCTGACGC
CTAGTACGTATGAGGAAGAACGGGGTGGGTGGCTGCCTGAGTCTGGAGGCGACGCTCGG
>EP73332 (+) Hs HPGD; range -499 to 100.

TAGTTACTTCTGCTCCCCGTACCCCTCAACCCCACTGATTACGAGATGGGAACCTCACACA
AACTTTGAGACAAAAGAGCAACAAGTTTGCTTTATTGTTTGCTTGTTTTGTTCGGAGT
CGGGGCCGGGAGGGAGTGCAGGAGGAGGGATCCAAGCTTCAAGCCTTGCTCCGCTCTC
CTTCTATCCAGTTGGTCTTTAGGCACTGAAGGAACTCTTCTTCAGAAATAACCTTTTA
ACTTTTCTTCTGCTAGCTGCCCTGCCAATCACGGAGCCAGAGGCTGAGGGGAGGCTTTGAG
CCGGTCTGCGAGTCCGGAAGGCAAGATCGCGAAGCTTGCGCTCCAGAACGCTCAGGGG
GCAGGTGACACAGTCGTGGTTCCCCGGCGGGCGCTGGCTTGACAGTTTCTCCCCGCC
ACTGGCAGGGGAGCGCCCCGCGGGCTGCACGCGCGCGCGCAGGGGGGCATAAAAGCC
GCGGCCGCGCGGAGACGCGGAGCTGCCCCACCGCCCGCCCCAGCAGTGGCTGCACCATGC
ACGTGAACGGCAAAGTGGCGTGGTGACCGGCGCGGCTCAGGGCATAGGCAGAGCCTTTG
>EP73333 (+) Hs LTA4H; range -499 to 100.

GTCGGGAATCGAACCCCGGTCTCCCGCTGACAGGCGGGGATACTCACCCTATACTAA
CGAGGAACCGCACGAAAGAAAGCCTTCTGATAGGCCTTTTCTACGTTTTTGCTCCGCCCC
GCCCTCGCTATATGCAAACACCAATGAACCTGATTTTCTTACGTTTGCCACCACAGCTTC
CACGAAAGTTGAACAGAGCCAAAATGGTAGTGTTAGTTTTATCTCCCCCTCCATTCTCA
TCATTTCCCTTCGGCCACCCTTCAACTGCCCTACTCCCTCCTCTTCTTACGCTCCAG
GAGCAGCTTGGTCCCCCTCAACATCCCTAACACACACGCTCCAGGTAGCCAAGCGCCC
GCTTGCCGCGCGGACCATGGAACCTGTAGTTCCTTACCCATCCCCAACGCTCGTCTG
ACTTTAAGAACTTCTTTCCCGCGTGACCGCGGAATCCCTCCTCTCTTTACCTC
TCTCCCTCCTCAGTCTCTATCGACGAGTCTGGTAGCTGAGCGTTGGGCTGTAGGT
CGCTGTGCTGTGATCCCCAGAGCCATGCCCCGAGATAGTGATACCTGTTCTGTTGGCC
>EP73334 (+) Hs CD14; range -499 to 100.

TGAGGTTCAATCTCTTCCACAAAACATGCAGTTAAATATCTGAGGATATTCAGGGACT
TGGATTTGGTGGCAGGAGATCAACATAAACCAAGACAAGGAAGAAGTCAAAGAAATGAAT
CAAGTAGATTCTCTGGGATATAAGGTAGGGGGATTGGGGGGTTGGATAGTGACAGATATG
GTACTGGCTAAGGCACTGAGGATCATCTTTTCCACACCCACCAGAGAAGGCTTAGGC
TCCCGAGTCAACAGGGCATTACCGCTGGGGCGCTGAGTCATCAGGACACTGCCAGGA
GACACAGAACCCTAGATGCCCTGCAGAATCTTCTGTTACGGTCCCCCTCCCTGAAACA
TCCTTCATTGCAATATTTCCAGGAAGGAAGGGGGCTGGCTCGGAGGAAGAGAGGTGGGG
AGGTGATCAGGGTTACAGAGGAGGGAAGTGAATGACATCCCAGGATTACATAAACTGTC
AGAGGCAGCCGAAGAGTTACAAGTGTGAAGCCTGGAAGCCGGCGGGTGCCGCTGTGTAG
GAAAGAAGCTAAAGCACTTCCAGAGCCTGTCCGAGCTCAGAGGTTCCGAAGACTTATCG
>EP73335 (+) Hs COX7C; range -499 to 100.

TGAGTTTTCCCTGCCCTTTGTTCTTCTCTTTTATTCGATTCCCATATCTTTAGTG
ATCATTCCCTTAGCATTTTCACTTTCTCTGAAGTCCTTTGTGCTGCACGTTGTTTGAT
TACTTGTGTTTATGCTTTGTTCTTCTCAGCTAGGATCATTAGCACATATCTCTCAGCATTG

GCAAAAGTCCTCGAAATCATTGACACCTAGCATATACCTTTATTTTTAAAAAGAAAGAAA
GAAGAGAAAAGGGATGGGTTTATTGTCTTTTCAACAGACTAGAGTATACGGGGTGAAAC
TGCTTCACTTGATTCAATAAAATCGTTTCCGGTAACAGGCCCCAGGAATCCTAGACCTAA
GCCTGGCGCGAAACTACATTTCCACAATCCTTCGGGGGCTGATAAGGCTCCGCAATGGT
CTGAACATAAATCCACAATCCAGGGCGATTTCCGCTTTGTGCGTTTTCTCAAGGCTC
CGCCCCATTTCCCATCTTTCTTTTCAGTCCTTGCGCACCGGGGAACAAGGTCGTAAAAA
AAAGGTCTTGGTGAGGTGCCGCCATTTCTGTCTCATTCTCTGCGCCTTTTCGAGAG
>EP73336 (+) Hs IMAGE145052; range -499 to 100.

CATCACCGACCACCTAGAAATCCCCTGCGCGCAATAGAGAACACCAGGGTGGAATGGTA
GAAGCCATTTTTGGTTAAGGTTTTTGTCTGGGTGGAGGGTATTCTGAGGATTCACTCA
GCCTCAAACATTACATTTAAACATAGGTGCCTAGCTACGATGATACATTTGCCAGTAGGG
CAGCGTTGCACGGTGAAAGGCAAAAACCCCTCTAAGCCTCCTCTGTGGCGACAAAGCTC
TCGGCCAACGCTCACCGCCATACACATCCGCGGAACGCTTCTCCACCAGCCGAAGGCG
GGGCTCTGAGGGCACTCCCGCCACACAGCGCAATTGAGCCTCGGGGCTTCTGGGAAT
TGAGTTTTAGTCACGGACACATCTTTTTTATTGCGGCCAGTATGCAATGAATCAGAAAA
CTACAACCTCCAAAGTGCCCCGGGGCGGCGAGGGGCCGAACGGTGACGACTGTGGCAGA
GAAGGCCCGGAGGGGCTCTGCGTTCTGTAGTGGCGCTGCTTGGGCCCTTGCGCGATTGTA
AGCTGCTGGTTTTTGCGGCTGGGAAGAGCGGCGAGAGGGTTTCGGCATTTTTCTGTCGGGATC
>EP73337 (+) Hs RRP4; range -499 to 100.

GCCAGCACCCACGGGGCGGCCGAATGTAGAATCCTGGCGCTACTGGGAACCGTGTGGAA
AGGGGCTCTTCTTTCTGTTCAAATAGTGTCTTCTGTAGATCCCATCTCTCCATCCTCTG
AGCTCTCTCTTACAAAATATCGGATTTTCAGCAGCTTAGAATTGGACAGAACTCAGAGGT
CCGTTTCTCAATTATCTCTAACCTGGTAAACAATAAATGGGATGATGAGTACAAGACAG
TTTTGGTAAAAAGTCACACGCCACACAACGTGAGATTTTATTATTCCACGGGTGCTTCCT
TGCCAATAGTAGACATGGCAGCTCGGCTCCCTTCCCTTCGGGTTTCGCTTATTGTTGCCA
ATTGTAAACATGGCCTCTAGGCCGTGAGTTCTCATTGGCAGCTGCTCTGAGTCCCCGCC
TTCCCCGCCCTCCGAACGCGGCTGGAGTTGTGGAGTCGGATATCGCAGCTCCCGACTG
AGCTGCGCCTGCGCAACTCATTGGCGCCAAGATGGCGATGGAGATGAGGCTTCCAGTGGC
TCGCAAGCCTCTTAGCGAGAGACTGGGCCGCGACACTAAGAAACATCTAGTGGTGCCGGG
>EP73338 (+) Hs GCAT; range -499 to 100.

TTGGAAAAGGGAGAACTGAGCGGTGTATTTTTCTCACTTTGAAGACTGGAGAATGAAT
GCGGAGCGGTTAGCGGGCAGGCAGTGGGGACATCTGGGGCGTTTGCACCTGAGAATGGC
GGGGGAGGGTTAGGAGCTGGACAGAGCCAGGAATCCTTAGTCCCGAGGCTGCGGAAC
GTGCTTAGCCGGCTCTAGGCTTCTGCCTTTGGGGTCCAGAGGGTACCCATTTCCGCGC
CGAGAGGTGAGTACGTGGGAATGCGGTGGGGAGTCTGGTGGGCTTGGCCCTGACGCGACT
TCCTCCGCCCTTCCCTCCCTCTGCCATCCGACTTCGGCAGTCTCAACTTACAAGTC
AAGCCTCTCGGTCCCTGGCGGATCCCGCCAGGCCCGGCCACCCGTCCTAGGCCGCGCTC
CCCGCTTTTTAAGCGAGCCCCCTAGCTCCGATTGGCTGCTGGAGCCCGCCCCCGGCC
ACGCGACCAGGTGCGTCCGCGATGCGCACGGCTCCAGGCAGGCAGGCGCGCTCGGGCG
AGGTAGGAGCGATGTGGCTGGGAACGCCTGGCGCGCCGCACTCTTCTGGGTGCCCCGCG
>EP73339 (+) Hs SMP1; range -499 to 100.

CAAGCCGGGAAGTCCCCGCCCTCTGGAGCTGAACCCGCCCTCTCCCAGAGGTGGAGCTG
CGGGGGGCGGGAACAGGCACGGAGAAAATAAACAAGACTAAAAAGTCCTGAGTAGCGCTG
TGTGGCCGCAAACTGAACCCACCTTTTGACACACGCGGGACCCGGCACTCTTCTGCCA
CCCACCCCTGAGAGGGCTGCGCGGCCGACCCAGTACTAGAAAACACTCGTCACCTCACT
CAAGACGGGTACGAAGGCCAACGGACGCCTTCTTTAGAACGCTCAGCACACAGAGCAAC
TTCTCACGCCTACTCTCAAATGGCGTACTCCAACTAGCACTCCCGACGTCCAGCTGTGA
ACCCAGAGCGGGCGAAAGCCCTGAACCCAGCGCCCGGGCATGCGCAGACGCGTTGTTGT
GGTGGCGTGGCTCCCTCCGACCCGGCGCCCCGCCCTCCGCCCGCTGTCGCGATGCGCG
ACTGAGCCGGGTGGATGTTACTGTCTGCATCCGGGTGTCTGGAGGCTGTGGCCGTTTTGTT
TTCTTGCTAAAATCGGGGAGTGAGGCGGGCCGGCGCGCGACACCGGGCTCCGGAA
>EP73340 (+) Hs E2IG3; range -499 to 100.

TGCGCCTTTGTCCCTGCCGGCAGGTGCGACAAGGCTACTGGGCCATCCGGAGGCCAGCC
GCCGCGCCCCGCCAACCCCGCGCGCCCGGCCGACCCGCGCGTCCCCACGGCCGGGGCG
GGGCTTCCGCCGCGCTCCCGCCCGCCGGGCCACACAAAGGCCCGGCAGCTGACCAAG
GGGGAGCGGGCCACCCGCCCTGGGCCCGGCTTACCCAGCCGCTCCGCCGCTGCAGCC
CCGGCCGCGGTACCGACCGCGCGCCCCGCCCGTGGCCGCCACGGCTGCTGCTATTGC
TCCTCCGGCCGCGGCGCTGCGCTGCTTCGGCACCCGCGCCCTCACCTCCCTTACCCC
TCCCGGTGCCGCGCAAAACAGTCCCGCGGCCGCCAAGCGATCCCTGCTCCGCGCGACA
CTGCGTGCCCGCGCACGCAGAGAGGCGGTGACGCACTTTACGGCGGCAGCGTAAGTGCCT
GACGCTCGTCAGTGGCTTCAGTTCACACGTGGCGCCAGCGGAGGCAGGTTGATGTGTTTG
TGCTTCTTCTACAGCCAATATGAAAAGGCCTAGTAAGTGGGGTCGGGAGGCGGGCGTGG
>EP73341 (+) Hs NAKAP95; range -499 to 100.

GTTTGGTGCTGTTTTAATTTCTCTTCTCAACATGGCTTTGCTATGCTTGTGTTTGGAGCC
GAAGGCCAGAGAATTTGAGAGACTTAGCTAGGTCCCTACCCAGCACCTCGGTGGCGGAG

TTGGCATCCCAGCCCTGCCCTGAGCCGTAGACCCGACTCCCTCTGGCGGGTCTCCAGGGT
ACGGGCGCTCCTCCAGCCCGACCATGCTTGGGCCTTGGGCCTTTCCGTAGTGACAGCTC
CGCCCCCTCAAATTCTATAGGACTCCGCCTCTCTGCCGGCTTCTGTAGGCCAATCACTGA
GGCCTTAGAATAACAGAAGGCGGGGACAAGGCGGGGCTCTACGAGATTGCCAGCAGCTT
CCAGCCACTGATATGAGGAGGCATAGAGATAGACAGCGTTCTTCCAATAGACGTGAAG
CCGAGGCCGGTATGAGCCAATGCGGTGCGGAGGCGGGGCTCGGGTGTGTGGAGGGGAC
CCTGTGGTTAGCAGCAGCTATCGCAGCGTCGGATGTTTACAGCAGCAGAGAAGCCGGCGTCG
TCGGATGTTGTGTTGCCCGCCACCATGAGCTACACAGGTGGGCCTGGCAGGGTGGGGTCG
>EP73342 (+) Hs p100; range -499 to 100.

GAAGTCGAGTGGAGCGGGTACGGAGATTCTCCAGGACTCTGCCTGCGTGGCTCCACCCCT
CCCAGGCCGATTCCCGGGTACAGCGGCGCCACCTAGGTGGGTATACAAGTGTGCGCCC
CTGAGGCCAGCGGGGAAGGACGTCATGGGCGAGGTACAGGCGGGAGGGCGCGGCTGGCTCC
GCCCCCTGGGGTCTCCATGGCCCCCGCGCCCCGCGGCCAGATGCTGACGTGTCTTTCTCT
TCCCACTACACCTCCCGACATTACCTACTCCGGCTGCCCCGGAAGTCCCGCCCCATATTT
AGCCCATCCTTGCAATCAACTCTTTCAGCGCTTCTTGGAACTCACCACCGTTTTGGGGA
CCAAGAGGCGGGGCTCCGCGAGCAGGGTGCCTATTGGCTGAGGGCCGCGGGCTCTGGG
CGCTAATTGGGCGGAGGGCGGTGCGCTCTGGCACGCTTGC GCGGCGAGTAGAACGTGTG
GCGGCGGCGGAGATCGCGTCTCTTTCGCTCCGTGTCCCGCTGCTGCTCTGTGAGCGCCC
GGCGAGTCCGTCCCGTCCACCGTCCGACGTGGTAGCCAGCCTGCCCTCGCCTCGACTC
>EP73343 (+) Hs TM4SF13; range -499 to 100.

ATTTTATTTTTATTGTTTCACTTATTTTCTCCCTTTCATTTGCCTCTACTTCGTTCTCT
TTTAAATCTTTCACATGTTTTTATTCACTTACTTGCCTTCTCTTCCCTCAAACAA
GGCCAGGTGCTTAGTTTTGAAATCTCATTCAAATGGTGCCACGTCATCTGCCAGGGCCA
AGAATCCAGAGGTGCTGTCTATTTTCTCCTTGCCAGCGTGGATCTCTCCGAGCCCCGCC
CTCCCTCCTCACCTGCTCCTGGGAAACTACACCAAGGCCGCCGCTCTGGCCTGGGGCTC
CTCCACACGCGCTTGGCCCTCTCCCCCTCGCCCCGGGACCGCTCCGCCCTCCCGGAT
CCCGGTGCGGCGAGCGCATTTATTTGCATATTTCTACCTTTGTTCCCTGCCAGCGGCCAA
TCAGCGCGCGGGGCGAGACGAAGGGGCTGGGCGGGGCTCGGGCTCCTGCTCCGGCTCAGC
TGCGGCGGCCGAGGTTCCAAAGCGGGTCCGAGCCGCCGCCGCGCGCGCCGCGCACTG
CAGCCCCAGGCCCGGGCCCCCACCCACGTCTGCGTTGCTGCCCGCCTGGGCCAGGCCC
>EP73344 (+) Hs ASML3B; range -499 to 100.

CCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGTGTGAATCCGGGAGGCAGAGCTTGACG
TGAGCTGAGATGGTGCCACTGCACACGCTGGGTGACAGAATGAGACTCCGTCTCAAA
AAAAAAAAAAAAAGTTGTTTAAATACATAAAATAATCAAAAGTGAGTATAGATGAAATAAGA
GTGGCCATAAGTTCATAATTACTGAAGCTGGAGGAAGGTACTTGGGGGTTTATTACACCA
TTCTCTCTCCTGTTTCTGTTTGAAGTGTTCATAATACAATGTTAAGAAAGGATTAAACG
TGTCACCCCCCTCTAGAAGCCCTCTCACATTCTCAGTCTGAATTAGATCCCCCTTTCCG
GGGCTTGCCAATACACCTGATGTGCTGACCGGCAATTCTGTTGTTTGGCCCTCCTCTTG
GGGGCAGGGGCTGCACTGGCAGGAGAGGTGGCTTCCACTTAAGGGTCCGGTATGCCTG
CCTCCTCGGGCCAGCCAGATCATACCCTGCTGGGCAAAGGAGGAAGACAGAGGATCC
AGACGCTTGGAGGACTTGGAACACCTGTAACAGGACAAGGAGTTCTGCTCAGGCACGTG
>EP73345 (+) Hs ALP; range -499 to 100.

TGTTTGAGCCAGGAGTTCAAGACTAGCCTGGGCAACAAAGTGGAGACCCGGTCTCTAAG
AAAAATAATAATAATAATAAAATTTAAAGGACATTAAGTAATTTGGCCAAAGCCGCA
GAGGTGTAAGTAAATATTAACGCACTCGAACTGCTAAATAACTTATTGTATCGATGAT
GCTCGTTTTAATTGAAAGCATGGAGGCTGTGGTCTGGCTGCTTTGCTTCCAACAAAGTG
CACTGCTGCGCTCCAAGCAGAAGATAAACAGGGAGACAGGTGTGACTTCAAGAGAGCGAC
GGACGCTGTAACCCGAAGCCCCGCGCCCCGCCGCGGGCCGGGAGGCTGCCCCAGCCGGCC
GGGCTGCGCACTCCCGCGGGGCTGGCGCGGCTCTCGCTTCCAAGTTGGAGCTCTCCGGG
GTGGGAGGGGGCGGGGAGGACGGCGGGGCGGTGACGTACCCCCAGCGGGGATAAAGCGC
CCCCGCCCGGGTGGGGGCCAGGACGCCGCCCGGCGCGGAGTGGCTGCCCTGCGCGGGGAC
ACTTAGAGCCCGGTGGGCGGGAGGAAGGCGGCATGCCCCAGACGGTATCCTCCCGGGCC
>EP73346 (+) Hs DDX25; range -499 to 100.

TGGCATTGAGGTCATTGTCATATCAAATTCATCAGATTTTGTCTCCACTTTGCTAACC
AATTGCTAACCTTTCTGACATCTTGTGATGTGGAGGCGGAAATTTCCAGGGAAACCGAC
ACGGGGCGTAAAGCGCGGCGGGGAGTCCGGGGGGCTCCCGCTGGAGGGCTGTGTAGCG
GCGGGCCGCGGGGCGGCGGGGGGCGCTCTCCACTCTGCGGAAGCTGCCCCCTCTGCCC
TCCGGTCCGCGCCCTTTGCCCCGCTCTCTGCCCTCCGCCCCGCTCTGCCCCCTCCGCC
CGCTCTCTGCCCCCGCCCCGCTCTCTGCCCTCCGCCCTTCCGCGCGCCACCCAGCCTT
CCAGCGCCTGCGCGCCGCACCGCGGTGGTTCGCGGGCGCGGACGCGGACGCTGCCCCCTA
AGGAAGCCCATTGGCCAGCGGATGGGGCCAGCACCGCTCGCGCCGGTGGTGAAGCACG
TGCTGGGGGCGGGAGCAGCAATCGCAGCCATGGCGTCGTTACTGTGGGGAGGCGACGCAG
GGGCGGCGGAGAGCGAGCGGTGAACAGCCACGTAACCGCCACCGAGCCGGGGGGCCACA
>EP73347 (+) Hs PTD004; range -499 to 100.

CGGCCACGCGGTCTCTGGGGCTGGTGTGGCTGTTGCCTGACTTCAGACCCCCGGATCT

CCCGGAGGGAAGTCAGGGCCCAAGGCACTCCGCACTCCAGCTGGGAAAGCTTGGGGCTGT
AGGCCCCGCGAGTGAACGTGAGCAGGTAACCCAGGCCGCGCAGCCAGACGGAAGCGGAGAC
CTAGAACCGAGAAGCCACGTGCCGAAGCGGAAGACTAGAGCTCCCGGGAACGGCCTAGC
CAGCGCCTTCCCTCTCCAGTCCCTGCCGCCGCGCGGCTCTCCACCCTGGGCTCCTC
CCGCCCTACTCCCGCTCCCCGGCCGGTTAGGCCAATGGGCGGGACGCGGGCAAGGCG
GGGAGGGGCGGGGCCCATGGTCTGCGCGCAGGTGCCGCTCGGCGCCCGGCCCGCCGTTT
CGCCGCTGTGCGCGCGCTGTCGCTGCCGCTCGGCGGAGGGGACGGGCCTGCGTTCTCTC
CTCCTTCTCCCGCTCCAGCTGCCGGCAGGACCTTTCTCTGCTGCCGCTGGGACCCC
GTGTCATCGCCAGGCCGAGCACGGTGAGGCCCTCAGGGAGCCCGGGGCGCGATCTCCG
>EP73348 (+) Hs HSPC051; range -499 to 100.

ACAGAGAAGGAAGTGTTCAAGTCTTCCAGTGCGGAGAAAAGAGACTAGGACTCGCCCCCTC
GACGTCTCGCGGAAGGTACCTGGCTCCCCGGTGGCTGCAGCTCCGGGCTCCTCCTCTGC
GTCCTCGCGTCGCGTACTGCTTGGTGGGATTCTAGTCTCGCCTTGGCCATCAGTTCGCC
CTTCCAGAGAGCTTTGGGAATCTAAGCCGGGACTGGGCGGAGGGCGGGGAGAAGGTGAT
GGCGCGCAGAGGCTTCTGGGAGTTGTAGTTTACATATTCTAACAGCCAGGAATTCTGGA
GAAGAAAAATTGGGTAATAAATCTTATCAGATTATCTGGGCTGTCTGATATGAACCTTT
TGAGTTTTTTCTCATTCCAGATAAGGAATACCTCTGTGGTTCAAAACACGAAGGCTG
AGATTCAGAGGAACATAAAATCCATAAAGTGTTGCACGTCTAGGGCCTTTGGGGAACGA
GGTCGGCCCCAGGCGAGGCGGGTGGCGCGAGTTGGACTGTGAAGAAACATGGCGGCCGC
GACGTTGACTTCGAAATTGTAATCTCCTGCTGTTCCGAGGACCTCCACCTTCGCCCTCAC
>EP73349 (+) Hs HSU53209; range -499 to 100.

CCAAAAAAGAAAAAATTAGCCGGGCGTGGTGGCGCGCGGGAGCCTGAGGTGGGAGGA
TCGCTGAGCCCGGAGTTTGGGCTGTGGTGAGCAGTGATCGTTCACTGCACTTCAGC
TTGGGTGACAGAGCGAGACCCTGACTCAAAAAATAAACAAACATAAAAAACGCTTCCAA
TGTTTTGTTCCCTTACATCAGAATCCACTTGGACAATATTTAAAGGGGCTAAGGTCATAT
AAGGCTCATCTGGCGACTGAAAAGTCTTCAAAGAGGTTGACGCGTCCGAGGTGAGTCTGA
AGTTTGGAGGACAGCACGGGACCGCGATTCCAAGGCGCCAGGTTGAGAGCGCAGGCCGC
CCGCCAACCTCCACCCTCGCTCCAGGCCAGCCGACACAAAGCCTCGCGGGAGGTGGAGC
CTCGTGACGTACAGAGACGCCCCGCCCTTTACGTCGTGCTCTGAGGAGGCCAGGAGAT
TTCTGGCGGCGCCGGCGCCATTTTGTGGAGCCTGCGACCGAGTGGGAGTGGAGTGGAGC
GGCTGTGGTTGCCGACTCTTCTCTTCCACGGTCCAGTCAGCGGGTTAATTAGGCCA
>EP73350 (+) Hs HSU15552; range -499 to 100.

CCAGTTCTCGGAGCACCTTATATCCCTTTTACCCCAACCAAGTCCTTAAATTTTATTTA
TAGTTAGCGTACAATACAGAGTAAATATTGTCTTTCTTTAAAAAGCACAAATATCTCA
AACTTCTCCCTTGGACATACCAATGGCTACATTAAGCTCTTTAGAACGTAGAAATGAAAG
AACGCCTCCCGGTTCAAACGATTCTACTAAACAAATGAAAGAACGAATGGCATGTAAGT
GCGTTTTTACAATTATGTGAACGGGTACGCTAAGACCCTCTGTCACTGCGGGCTTCGCC
GCCCCGATGAAGGTCTTCCAGCAAAAATCTGGCTTGCCTTCTACAGCTCTGAAATGCA
CACTTAAACCCAGGCCCTTTGTCTCTGACCGCCCTGGCCTGAACTGGCTGGGCGGAGATT
CTCGCAATTCTCGGATCTGCGCGGAAACGCGCTCGAGGCAGTTCTCTGACGCATTTCC
GGAGCGCCAGGGAAGAGGGGAAGTCGTGGTGGTTCGCGAGGGAGCCGAAAGATGGTGGTTA
CCAGATCTGCACGGGCTAAGGCCAGCATCCAAGCCGCGTCGGCTGAAAGTTCCGGGCAAA
>EP73351 (+) Hs KIAA0102; range -499 to 100.

ACAAACAGCTAAATGACAGCTGCTTGAGAGAATAATCGGTAAGTGCCACAACCGGGCTA
GAAAAGGATGAAGGACAAGCTCCTGCCACTCCTTTGGAAGTCCACACCTGGGCCGGAG
AAAGACTCGAATTCGAAAATAAGTTTCAGTCGCACCTGCCTCCGGCGTCGCTTCAGCCT
CCGAGGGGTCTGCGGAGGCGACGTCCCAGTCAGGAGGGATGCGCGCTGCGAGCCCCCG
GGGATCTCGGAGCCGCTCCACTGCGGTGCCTGCCGCTATCTTCCCCACGCCTTAGTAACT
GCGACGCGACGCGCAGACAGTGTAGGCGGCAACCGACGGCGGGACGTCAACCTCAAGTC
CCAGCAAGCCCCGCGGCCACGTCTCTGACTACCTCGCGCCAGCAAGACCCAAACTACGG
ATCCCCGATTGACTCCGCGCGGCGCGTACGCTGTGAGCTCCAGCCAATCGGCTTCAGACA
AGTCGGAGGGGAGGGAGACGCAGAGGCGGACAAGATGGCGGCGGCAGCTGTACAGGGCGG
GAGAAGCGGTGGTAGCGGAGGCTGTAGTGGGGCTGGTGGTGCTTCCAATGCGGGACAGG
>EP73352 (+) Hs C140RF92; range -499 to 100.

CCCGAACC GCCCGCCGCTCTGAATCGCCAGCCACAAAGTGAGCCCCGCCCGCCCA
CCCAATTTGGGAGCTTCAATGCCCGCCGAGCCTTGAAGGCGAACACCTGAGGGTTAC
CTGTGTCTCCGATGATGATATACTTGAAGAGATAAGCATAAGTCATGGTGTGCGCTCCTC
TGGGTTCCGGGTCCGCCGACTTCTATAGCCACTTACCTCCGACCTCTTAGCCACTCAA
TCTACCGATCTTCTTCTTCTCCCCCTTCCCCCGCTCCCCCGCCCTCCGGCTCCTCTAG
CCCAGATCACGTCTCTATTGCACTCCCCGAATCATCCTTAGGTGCGGAGTACCCTACGC
CACCTCCAGGGACGCTTCTAGCACTTCTACATGCCCTTATCCCTCCAAACTCCAGGGGGC
GATAGCCCAGCGCTGACTCTCTGCAGCCCCACGGCGCTCCTTCCAATCAGCAGAGAGAA
CACACGTCTTGCAGGAAGTGACGGCAGTTCCGAGTCCAGTGGGGGCGGTGGGAGCGATGA
GGGTCTGAGACGGTGGGAGCGGTTGTGTGAAGATGGAGGTAGGAACCTGATAGCTAAGAA
>EP73353 (+) Hs STAF65; range -499 to 100.

GGGATGTGCGGGCTCCCCAGAATTGGAGTCTGCAACGCAGTGGGCCCTTCTTCTGTACC
TCCTCAGGGTTTGAAGAACTGCTGGCCGGGGCCTTACTCCGCGCCGCTGGGGACACCGGC
AGAGCTGGCTTCTTGAAGTCCCCACTGAGGTCTTGCGACGCCAGGGTCTCTGACTGAGAG
AGAATGTCAGCCATCCTCAACCGGTGCAACTTCGAAATCCGCTCCTTCGAAACCCACCCCT
TCGGTCTTTACGTTCTGTCCACGTCCCACTCTCCCAAGCTCCCAGTGGCGTCTGTAGGC
GGCGATGGTGAAGTTGCTCTTCACGACCTGGAGCGTTGCGAAGTGGTGCTAACATGAGA
AGGTCATAATATGAGAAAAACAAACGGTTATCGGGATGCTGTGCAGAACGGGGACATAT
TTAGAGGTTACAACGGGATCGTAATGACTTCTGTTGCATAGCTTGATTGAGAAGAAGCG
CTTCCGGCGGTCTTAGATCACTAATCAACAAACCAGCTTTCGGGGTCTGACGCGATCCTT
GCCTCAGGCCTCTCGAGGTCCAGACAGCCGCCAGCCCGCTCTGCGACGCAGCAGTGAAT
>EP73354 (+) Hs KIAA0971; range -499 to 100.

TTGGCGCACCGTCACGGTCCAGTAAAAAATTTGAATAAATCTATAGCAAAGCATGGAGC
GGTCCGTATAGAGGCTGCCAAGCCGAGCGGCCATGGGAGGTGAGCTGTTGTGGCGTTTT
GAGCAATCTGCGGGCGGACGCGGGGATCACTACCCGCGATGACGAATTTGGCCATGGTC
GAGAGAGACTCAGAGGCAGGACCGCGGCTTCGCGGTTTCTGGCAACCACGCAGCCAAG
GGCAAGGCGCAGGCGCACTACAAAGTCTGGCGCCAGCAGAGGTTAGGTGTTTAAAGTTA
GGACCTGAATGGGTACGTTGCGATACAGATCAAACATCGCCCTTATAAGCTCTGTGGT
ATCCCCGAGCCCCACTCCTGTATGCAAGGAAATTAGTCATTCTCTTGGTAAACTTTCTT
CAAGTAAGTCTTCAGCTACAGCCGCGAACATATGCTTTTTGACCTTTGAGGGAATCCGT
AAGATCTCGTGAGAAGCGCAGCTTCTCGGGGAAGCTGTCATGGCTGCTCCTGTACGTAGT
CACGGTCTTGTGCTCTAAGGTGAGTGGAGGACGAGCTTGGGCTTAGCGGCAGCCCGTATC
>EP73355 (+) Hs CGI51; range -499 to 100.

CGGGGGTGGCCGACCCGGGGTCTCCCCGCTGAGTCTCGGGGCTTCACCGGCGCGTGGGC
ACAAGCACAGCACCTCGGGTGGGGGTGCTAGGAGGGTAAGAGCAGCAGGACTTGAGT
GACACCCAACAGCTGGTCTGATCTCTTTCAGGCGCCAACGCCAGACGCCAGCCTCCCAGC
GGACCTCTCGCAGACCCACCTTCACCCACGCGCCCTCCCAACAGTCCACGCGCCAG
CAGCTTCGCGGATGTGAGTGAACGCTCTTCGCTTGCGCAGTCAGAACGTCCTCCGCGGCC
GTGTGAACATCCGGGTACAGGCGCATAAGGACCAATGAGCGAAGGCATCGCGAGCCAGG
GGGCGCGGAGAAGGCGGGGAATCATGGCCGCCCCAGTGTTCCGCGTCCGGGGGTTTGTG
GGAGTTGCCTTGACCTGCAGTCCGCCACCGCGGACCCGCTTCTGCCCTCAGCAGCAGA
CGCTCTGTCCCGCCCGGCGAGCTCTGCGAGGCAGCGGCTGGAGAGGGAACCATGGGGACT
GTGCACGCCCCGGTAAGAGGCCAGCGACCCGCGGGTGTGCGAGGCCTTGGGCCAGCAGG
>EP73356 (+) Hs DKFZP566C243; range -499 to 100.

GACCACAAGGTCTGGCCTTCATAACCCTCCCAAGACAACCTCCGGCCCCACTTACCTTCTC
GAAGCGGTCTGGTCCCAGGCATCATCATAACCGGAATAGTTACCGGGAAAGTCAGTAGT
ATGGACCTAGAGCAAAGGGACGAATTTGTCCACGAAGGGACAGTGAGCCACAGCTATCC
CCACGCCAATCCCAAGACCCATCCCTGTTCCGCTCTCATTCTCCCGCCCGAGCTCAAGG
CCACAAGGCTTACATTGCGAACCCCAAACCTCCCCAGAACCACGCGGCTCCGCATTTCTC
CCACCGCTGAGAAGCCGCCATCTTCAATCTCTCCACGAGACTAGAGGTTCTATCTCGCG
CGTGCGTCTAGTAGCCCTGCTCCGTCTCCGTGGCAACGCACCGCCTCCTGGAATCTTAA
ATATCGCGAGATTTTTCCCGCCCCCGTCCACGTCCCAGCTTCCGGAAGTTGCTTTTGT
CCAAACATCCGGGCTTCTCCTTTTTGTGTTCCGGCCGATCCACCTCTCCTCGACCCCTGG
ACGTCTACCTTCCGGAGGCCACATCTTGCCCACTCCGCGCGCGGGGTAGCGCGGGTTT
>EP73357 (+) Hs MGP; range -499 to 100.

GGAAGATGTCTAAATTATAATCAGTGTAGAAAGCGAAGTTCTCCTAGAAGAAGAGGCAAA
GGTTAAAAAAGAAAAAGAAAGTGAAGTCTTTCTCCCCAAAACCTCTCATCAA
TCAATCAGGGTAACAAACAGAACTAGGGCTCTGTCTGTGGACCAAAACCCAAAAGCCCT
GCGGTGAGGGCCAGGAGGGTAGATCATGTGTTGTGGCAACTTCTCTGTGGGCTTTTGC
CCAGGTCTGTCCCCAAGCATACGATGGCCAAAACCTTCTGCCAGAGCAGCATCTGTGT
AACACAGTCAGGTCCAGCAGTTAGGGAAAACTGCCACTCAGAGTAGATAATATCTGGAA
GGAATGACTGTTTGGGAAAAGTTCCAATGCTAGTTCAAGTGCCAACCTTCCCCACCTTCT
CCAGCTCTCTCCCACTGGTTCTCCCTCTCAACTGCTCTGGTTCTTATAAAAACCTCAC
AGCCTTCCACTAACATCCCGTAGGAGCCTCTCTCCCTACTGCTGCTACACAAGACCCCTGA
GACTGACCTGCAGGACGAAACCATGAAGAGCCTGATCCTTCTTGCCATCTGGCCGCTT
>EP73358 (+) Hs P4HB; range -499 to 100.

GCGCGCATCCCTTGGCCAATCAGGAGGCGCAGAGTCCGTGCTACCGAAAGGGGCAGCCAT
TCCAGACCCGTGGAAGGTGCAGGCGAAAGCCACCAATTAGAAGCCAAGGCAGAAAAAGTT
CTTGTCGGGAGCCAATGAGAGGCTAAGAAAGACAGCGAGCGCGAGGTCTTCGGCCAATCC
CGAACGAAGGCCAGGGAGCACTCAGGAGCGTTTCCGAATCCGGGGCCAGGCCTGGTGTGA
GTGTCCAATCCGAGAGCGGCAAGACGAGCCTCGAAGTCCGCCGGCCAATCGAAGGCGGG
CCCCAGCGGCGCGTGCAGCGCCGCGGCCAGCGCGCGGGCGGGGGGCGAGCGCGCCCGG
ACCCAGGATTTATAAGGCGAGGCGGGACCGGCGCGCGCTCTCGTCGCCCCCGCTGTCC
CGGCGGCGCCAACCGAAGCGCCCCGCTGATCCGTGTCCGACATGCTGCGCCGCGCTCTG
CTGTGCTTGGCCGTGGCCGCCCTGGTGCAGCGCCGAGCCCCGAGGAGGAGGACCACGTC
CTGGTGCTGCGGAAAAGCAACTTCGCGGAGGCGCTGGCGGCCCAAGTACCTGCTGGTG

>EP73359 (+) Hs CBR1; range -499 to 100.

ATATACTTAGGGGAAAAATCAACAAAACCTTGATGCCCTGTTATTTCTTCCAGTTTCTT
CTGCAACTCTAGCTCCAAAGACTGCAGTTCCTGCAGTATTTTTTTTTTTAGAACACCAGG
AAAAAAGAAAAAAAACCATGCAATGTACTATTTCTTCAAACACAACCTAGGAATGATT
GAACAGCTGGGAGAATATGAAGAAAACCCCTCAGAGAACCAAGGGCAAGCAGTGAGTTCA
GATCTAGGCACATGGCCACTAGGAATGGTTCTTCACTGCCACGTGGGCAGCCAACAGCCA
GTAGCTAGAGACCAGCCTCGGTCTTCGGCTGCGGGTTCTGCAAAGTCAGGCTAGCTGGC
TCTCCGCCTGCTCCGACCCCGCGAGGTTCCGGTGGGGAGGGGTAGGGATGGTTACGCC
CCGCCCCGCTAGGGCGGGGCTGCGCCTGCGCGCTCAGCGGCCGGGCGTGAACCCACGG
GTGCGCGCCACGACCGCCAGACTCGAGCAGTCTCTGGAACACGCTGCGGGGCTCCCGGG
CCTGAGCCAGGTCTGTTCTCCACGCAGGTGTTCCGCGCGCCCCGTTACGCCATGTCTGTC

>EP73360 (+) Hs CSNK1A1; range -499 to 100.

GGCGACAGCCTCTTTCAAACAGAACTGGGTTGGAATAGGCCGGTCCGGGGGAACGGCC
AGAAGAAAGATCAAAGTTAAAAACCGCTCAAAGAGCAGAGTCAATACCCAACCTCTA
AGGAGGCCTTAAGCTTTTATCTGCCACGAAACATGAAGGTGACTCTCCCAATATCAAGG
CCGGGGGGCCACTCAGCCTTCCAGAGACCCGGCGGGTCCGAGGCGAGTAACAGGTAACAC
CTGCTGAGCCGCCGCCAGCCGGAAGAGAGACCCGGGACGGGGGTGAGGACAGGCC
GCGGCACGCCTGCGCAGTCAGCAGGAGTTGCAGCGCTCATGCGCAGCTGGGCGGTGACAG
GGTGACGCTCGGAGCGTGGGCGCGACTCTCACGGATCCGGTTCGCCCCCTCTCGCTGCCG
ATCCTTCCGAGCGAGCGCCCGAGATCCCTTTCCAGAGTCTCTGCGCCGTGAAGAAGCG
GCTCCCGGGGACTGGGGGCATTTTGTGTTGGCTGGAGCTGGAGTAACAAGATGGCGTCGT
CCGCGGAGTGACAGGGGTCCCTCTGGGCCGGAGCCGGCGGCAGTGGTGGCAGCGGTATCG

>EP73361 (+) Hs RER1; range -499 to 100.

CACCTGGACCTCTACTTTCCGAGGTGAGCATTTGGGGGTGAGGGCGTAGAGCGATCGCA
CCCTGAATGGAGCCAGGGCAGCCAGCGACCTGTCCCGTGGCCCGCAGTCGTTACCGTTC
CGGGGCGGCCCTAGGCGGGTCCCGACGCGGCCCGCGGGAGCTCGGGGTGCCCTCGCCC
GCCGCTGCCATCTTGCCGCCGAGGGTTCTCTTAGCGACCAGCAACGCCCGCTTCCATTGG
TCTTTGTGCAAGGGGGGGGTGTGGCCACGGGCCTAGTCCCTGAGCCCGCGCAATCTCTGG
AGCGAAGCTAGCCGGGCCCGAGCCAGAGGACGCAGCTGCGCCTGTGCGCGTTTCCGCCG
CTGTCGTCTCTTCCGCCGGGAGGGCCGCCCGCCAACGGCCTGCGCGTCTGCGCCGGAAGC
GGAAATGGTTGGAGCCCTTGGCCCCGCCCTGCGGCCATCTTGGGGGCCCTGGAGGCGGCG
CCGCGGAGGACGGAGCGGAAGTGCTCGCTGCAGCTTCCCGGAGCCGGAGCGCAGCGCCTG
CGGCCGCCGTGCCCGCCGTCTCTTCCCGCGGCCGTGAGGGAGACC CGGCTCGGCC

>EP73362 (+) Hs SLC2A3; range -499 to 100.

TCATAGGATCAAGAATTCTTACTAACACTCTTTCTAACAACTTAAATCTCTGATAGTAG
CACCCACTTGACTTCGTTTTGTATGGATAGATTTATTCTAATCTCTCTGTAGATTGTTTT
AATCCCAAGCAGATGCGAGAGCATAAAATAGTGTATTTGCCCTCCCTCCAGGCTTTTCTG
GTAGTATTTTGTCTGTGAACTAAGAGGCTCTAGCTGCTATTAGAAGAGGGAAGGAGTAA
GGATGAGCTTTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAGGGTGGAGAGAGTGGAAGGATG
TGGTTTTAAGAGAGGGGGGAGGGAGGGCGTTATTGTCTGTGGGGCGGGGCGGGGGTAGT
TCTGATAACACAGAATTCCGAGAGATCACAAAGATTGCTTCAGGGGGGTGGGTGGGGTGG
GGTGGGGCTGGGGGCTTGTCGCCCTTTCAGGCTCCACCTTTGCGGAGATTATAAATAGT
CATGATCCCAGCGAGACCCAGAGATGCTGTAATGGTAAGACTTTGGATCCTTCTGAGGA
CGTGGAGAAAATTGCTGCTGAGAAGGACATTTTGAAGGTTTTGTTGGCTGAAAAGCTG

>EP73363 (+) Hs SMT3H1; range -499 to 100.

GGCGGGTGGCGCCCCAATCGTCTAGGGTGCTGGCCGATTGCGCGGGCCCCGCGGACG
GGACCCCGCGGGCCGCCTTCTCCGCTCTGTCCGCGGCTCCTGAGAGGGAACGTCACCCCC
AGCGTCTCTCTCTCCGCCCCAGGTCCTGCGGCCATGGGCGGCGGCCCGGCCCTACT
TCCCGGCGCCCAAGAACCGCGGCCAGGAAAGAGTCCGGGCGGGGCGACGCGGGGA
GGCGGGCAAGGGTCCCCAGGGCCCCGGGCTCCCGTAAACGCTCTGCGCCGCGCCCCACA
GCGCCCTAGGGCTTCCGCGCCCGACGGGGTTCGCGCGGGACCCGCCCGTGACGCATCTCC
AACCGCCAGAGCCGCGGCCCGGCTGCGCGCGCCCGACGCCCGGGGAGCGCGCTCGT
GAACGCGCGCAGCCACGTGACCCCGTCCGCGGCAACGGGTGCGCCGGGATTTGGGGGAT
AAAGCGCGGGCCCGCGCACAGTTGCGGCGGGAGAGCGGCGGGGCGAGAGCGTGACTCGC
CCGCTCCGCGTGTCTCCCCGCGCCGCTCCCGCGCCGCTGCGCGAGCCATGTCCGAG

>EP73364 (+) Hs CORO1A; range -499 to 100.

CCACCCATGCTTAGATCTCAGAGCCAGGCAAGAGCCAGGTCCCGGGGGTCCAGGAGCGCG
CTCGGGGCTCCTCTCGCCCCGCGCCCCCGCGCCCTCGCGCCCCCGCGCCCCCGCGC
CCCCTGCGCTCGGTCTGCGGGGCGGGAGGAAGGGGCGGCGCAGCCGGGCGGGGCGGG
CACCGAGGCCTGGCGGGCGGGCTGGGGCGCTTTCTGTGCTGCCAGGGAAGGCTGGCGA
GGAGGCTGGGGGCGGACGCAGGGAGGAAAGAAGCAATGGGGTGCTTTGCGTTTTGACAT
TTTAAAAAGAAGTTTAGATTCTGCTTCCCGGAGCCGGGATGGCAGCCTGCGCTATGGTTGG
GGACCAACGTGGTGACGGGCGGGGCGGGGAGAGAGGCGGCCGAGCGGGAGCCCGGG
AGCGCAGGGCGGGCCTGGAAGAGCTCCGCCCAAGGGGCGCGGCCACCCCGGAGGCGGGC
GCACGGCTGCTTCTCATTCTTGTCTTGACAAGAGCATCTTCAGCGGGCGAGTCCCCGGC

TCCTCCAGCTCCTTCTCCTCTTCTCCTCCTCCTCCACCTCCGGCTTTTGGGGGATCAC
>EP73365 (+) Hs D1S155E; range -499 to 100.

GGTCTCATTTAGATTTCTAAATTACCTTGCTACAAAGCTGACTCTATACTAATGAAATTC
CTCTAAAACAGTAGACGTAAGAAAGAATGCTTGCACTATAAGAAGAAACGAGTGTGAGGT
CCTTCCGGATTTTTGCTGGGAAAAGATAAATCATTTTTTATGACTCCTGAATATGCCATC
AGAATTGTTGGCCTTCAAGGTTTACCCATTATTGTGGGCTAAAACGTATTCAAACGCTC
GAAGACTAGAGACGCTAAAGCCACCCGCCACCCCTAGTGTCCAGGAGGAGTCAGTAAAC
ACCGAGATTGCTTCCCGCAGCACACCCAAGAAGGAATGTAATGTAATGCAGCCACCATGT
TGGTTGTGGTTAAGTGCAGCAAACCTGCTTGGCGTCACTTAGCCCTGCTGCGCAAGCGTGT
TGAGAGTACGCTTCACTCCGCCCTTCTCTGTCACGCGCCGGAGCCCGCAACTCTCGCG
AGAGAAGCGAGATTTATTCCTACGTACCGGGCCGTGCTGCTTATGGCGGCGCTGGAGAGG
GGGCGCTGAGCTGTTGGGGTGAGTACGACCTCAGGGTCCAACCTGGGGGTAGCAGAAACCC
>EP73366 (+) Hs PARK7; range -499 to 100.

CAAACAATGCTGAGAAAAAACTCACACCCCTGAGACATCCGGGTGTGAATAAATGCGGC
AGAGTCGCCCCGAGATCGGGAGACCAGGCGTGGGGGAGAGGTCCGGGAGGCCTGGACCAGA
GTCCTAACAGACCAGAGGCGAAACGGGAAGGCGGCCAGAAAAGGAACAACGCAAAGGGA
GCAGGCGTGACCGGAGCGCAACTAAGGAACCCCTCTGACAACCCAGTCCCTCGGCAGT
TCCAGAGACCGGCTCCTCACGGAGGGTGGCGGTAGAGACTGTTAAGCCCGCGGGCGCGCG
GGGCAGGCCGGACTGTGCCATTCTGTTGGGGGTACCATGTGGGACCGAGCCGCCTCACCCA
GGGCTGTCCAGCTAGAACTCCCGGTGCCACCCCGCCTCAGTCCGAGGTAGACTCGGC
CGGACGTGACGACGCTGAGGCCAAGGCGCGTGAGTCTGCGCAGTGTGGGGCTGAGGGA
GGCCGGACGGCGCGCTGCTGCTGGCGTGCCTTATTTTACGCTGGTGTGGGGTGAGT
GGTACCCAACGGGCCGGGGCGCCGCTCCGAGGAAGAGGCGCGGGGTGCAGGTCAGCGC
>EP73367 (+) Hs ATF6; range -499 to 100.

CTTACCTCGGTTACTGTCCCAGTTAAGCAGTTTTTACGAATGTGGAAAAATAGTAGTGTT
TTTCTTTTCATACACGCGTATATGAAAAATTTTACATTGATAGAGAATTATTCGTAAAAA
TTAAAGTAAATTTACTGTTAGTCTCTAATTTTGTCTGAGATAGCCACGCTGTGGCATT
AGAAGGATAATCAAGGAATAAGCCATAATGTTTCAAGAGGGGCTTTACTTTTTATTTT
ATATTATTGATAAACTTTGTTTAGTCGAATTGATGTCTGCGTGTCTTCCCCCGCCTTCCC
CATAAAACAGCGGGACAGAAAGTCTGAAACTCCAAAAGGGAAATATTTACTCAGAGGT
CTATTCAAATTTGCTTAGTCTCTGACGTTTTCTGTGTCGTACAAATCCCTCGTGCGGCA
AAAGTAGTTTGTCTTTACTAGGCCACCGTCTGTCAGCGTTACGGAGTATTTTGTCCGCC
TGCCGCCGCGCTCCAGATATTAATCACGGAGTTCAGGGAGAAAGGAACCTGTGAAATGG
GGGAGCCGGCTGGGGTTGCCCGCACCATTGGAGTCACCTTTTAGCCCGGACTCTTTCACA
>EP73368 (+) Hs HSPCB; range -499 to 100.

ATCTGGGGCTACCCAAGGTTGGGTCCGAATGCCAGTCCCTCTGTGCGGACGCGAGATGT
GTAGGGCAGATGCTAGGAAGAAGATTGGGTCTGGGAGCGGTGGTCCGCGTGGTTAGCTGC
CTCCGCTCTTTTTCGGTGTCCCCCAGTCCCGCCTTGGGTGTGGGGACGCCTGCCCCA
CAAGTGTTTAGGGAGGTGAGTGGGTTCTCGCCCGTAGAGACCGTTTATGCCAAATGA
GCACTCCTCATCCCCGCTCTTGATGGAGTCATGTCCTAGACGTGAACTATGGGGCTGTG
ATCACAAGCAAATGTGTGGGCGGATCCGTTGCTTGGGTCTTCCCCGCCCTCTTTTTT
TCGGACCATGACGTCAAGGTGGGCTGGTGGCGGCAGGTGCGGGGTTGACAATCATACTCC
TTTAAGGCGGAGGGATCTACAGGAGGGCGGCTGTACTGTGCTTCGCCCTTATATAGGGCGA
CTTGGGGCACGCAGTAGCTCTCTGAGTCACTCCGGCGCAGTGTTGGGACTGTCTGGGTA
TCGGAAAGCAAGCCTACGTTGCTCACTATTACGTATAATCCTTTTCTTTTCAAGGTAAGG
>EP73369 (+) Hs COG2; range -499 to 100.

AGCCCACTGGAGGAGACGCTACACTTCTGTGGGGACAGAGGCTAAGGGCGGGGGTCTC
CATAGAGGCGTTAGCGCCACAGCGGCAGTGACCGCGCACAGGGAGGTGAAGAATGCGA
CCACGGTGATACGTCCAACCTGGAACCGGGCTGAGAACCAAGGGCCAACTTCTGGCC
ATGCATAACGAAGCAGAGCAGTCTCAGGGTAGAAGGCACTGGAAAAGCGTTGTAGGACAA
TTTTTCCAGTAGAAAACGGTGGGGGTGGGAGGGAGACCCGCTCACCCCTTTTGACCCACC
CCTGCAGCTCAGCCACGCCTCCTAGGGAGGTGGGCAGCCTTGCAAGGAGCCCGCGGAGGC
TGCAGTACCGCCCTCCGCCACATGAGGGCAGCACGGCTACCCGTGCAGCAGCGCGGCC
CCCGCGCCCCCTTTGGCCAGAGCCAGGCGCAGGCGGCTTGCGGTGCCGTCGTTTATTGG
CCGCGGCGGGGCGCTGCCATGTTGGCGGAAGCGGACCCCCCTGTGCCGTGGAACTGGC
GGTGGCCGCGGCGCGGAGTGGTCTGCGCAGCCTCCTGCGTTTTCTCGCTTGATCTTG
>EP73370 (+) Hs GTF3C5; range -499 to 100.

AGTCTGCCTCTGCCCCGCCCGAGGTGTCATTGGGTGGAATACCCAGAAGAGGGCTGGG
ACGTGGTTAACTCTAGTCTTTATTGGTTAAAACGTACGAAGCTGGAGGAGAAGGTGGGA
CCTAGCTTCTCCGGACTTCTCATTGGCTCAAAAAAACTCGCTCGGCCCTCGATTCT
CATTGGCTGAAGTCGAGGGAGGTTTGTGCTTATTATCCTCCGGGTCCCTCGCTGGCTAG
TAGGAGAGACTGGTGCTTGCCCCGCCGGTGGACTAACTCGCTTAATTTTAAATAAAAAAG
TCGAGGACACGGCGGTGTTTTCCCGAAGACATGGGCCCTCCCATGGGCCATTTGCTCCC
TGGAGGCCCTCGCGTCTTGCTGAGCCCGGGGAGTTAGGATGACGCGAGCGGTGAGGGAGC
CCGGAACGATTCTTTCGCGGAACAATTGAGGCGAGGCCCTTGGGAGTACTTTGTGGGACG

GACCTGGCGGGCCCTGCCAGACGCACAGGATGGCGGCGAGGCGGCCGATTTGGGGCT
GGGGGCCCGCTCCCGTGGAGCTGAGGCGGAGCGACGCATGGTGTGCGTGGAGTACCC
>EP73371 (+) Hs CHORDC1; range -499 to 100.

AGAGGTTCTGCTCCGCTATTCTCTCATTTACTAAGCTCACACGTCTACCCTGAGGATTTGG
AAACACTGTATGATTCTGCACTTACTGTGCACTTATCCCTTAGTGCTAAGGGGTAAACAG
ATACCCACCGGGCTGTCTAAGGCGCAGCCTCAAGGAAGGAAGGGTGCTGGGTCGCA
GGGGATGAGAGGGCGGGGCGGCCACTTTGTGTCAGGAGATACCCAAAGCCAGTTAGCACT
GAGGAAGTCAGAAGAGAATTGTAGTCTCTCGACACCTTCATTTTCTGCCCCGAAATT
TCTCTCCGCTGTTGTCTGGGCTCCACTTCCGACCCCAAGTTGCTACCACTGTAGTCCG
ACCTATCGTGGCCCGGGCTAGTGCCAGCCTCCCGCGCTACCTCCGCTCGTCCCTTCTC
CTCTGCGCCTGCGCGACCGGAAAAATTCGCGAAGGTTCTGAAACGCAACGGATCGTTTCC
GGAAGCCGGTAGCCGCCTCAGTCGTGACACCGGTGCTAGCGACACGGGAGTGGAACGC
ATCCTCTTGCCGTTCCCGGTGTTTGGGCCTTGCTGTGACGGTGGGAAAAAGAAATGGCC
>EP73372 (+) Hs HBP1; range -499 to 100.

AGAGGCCCGGAGGAAAAAGAGGCCCAAGCTTTAAACACTCCCTTCTCCGCCCTC
CCTTTTGTCCAGACACAAAACAAAGAGCTGATACAGTGTCCCTATGACTCTTGTTT
ACTATCAAGACTGCGCTGTGCGAGCGCTCTGGGATACGTAGTCCAGCTCTTCCCGGCC
AGCAGTCTCCACAGCCAAGGACCAAGGCTTGAGACTACGAACCCACAATCCATTTGCGG
GACAAAGTTTGCTTGGGTCCCCGACTCTCGGCAATAGTCCAATCCGAAGCACTTACTC
TTGTGATTGACATGCCATCTTCTCCAGTAAACACAACAAAAAGTCAATACATGCCCGCC
CCCCGAGACGGACACGGTACCACCCAATGGGAAAGGGGAAGAACCGAATGGCAGTTCTG
CAGTCCAATAAGAGGGCGAAAGAGCTGGGCGGGGCTCAACCCCCAGGGGGTTGAGGGGAG
GGGGAAGACGAAGCTTGAAAGACTTGGTAATGGCGACGGGTTTGGTAAGTAGGAAAGTTT
CGGTTGAGGAGTAAGAGCTGCCGCGGGAGCAGTAACCCGCGGGGGAGGCCGACGTCGG
>EP73373 (+) Hs HU; range -499 to 100.

AATCTAAATAGACTCCAACAGAAAATTCACCATCTCCTTGACCTTTTCTTCCATCTCA
TGCTGTGAAGTGTCTTCTGTTGACTTTATCGCTACCTTTCTTATTCTGTTATTCAACCA
TGATCTCTCCGTTTCATTTTATAAGCGTTTATTAATTTCAATTTATGTATTTATTTTGA
CTAGGTAATGCATGTCCATGGTACACAAATTCACAAGGTTTGTAATGAGAAAAGACGTG
AGGTTCTTTTGTCTTTTACCTGTGGCCTCCCTGCCCTACACGGGGACTCTAGGGTGGA
TGAGCAAAGCCCATCCACAGCCATGTACTACCCCCAACCCGGCCAGGCTGGAGCGAC
CGTGTCTGGGGAGCCGAGCCCCGCTTCTCGCTGCGGTGAGCCCGGACTGGGGCACGCACT
GCGCAGACTCCCCGCTGCACTGGGCGGAGCTCCACAGGCCCCGCCCTCTCCACCC
TCGTTTCAGCCTGTCTCAGACAGAAAGCTGGGGCCACCGGAGGTAGTGCAGACGCCTGAGA
GCGAGGCCGAGCCCCCTCAGGGGTAGGTGGGGGGAGGCTGGCTGGGGGGATGGGCAGCGG
>EP73374 (+) Hs FTSJ1; range -499 to 100.

ACCCTCCAATAATGCTGTAAAGTCTATACTATTGATTATCCCCACTTTCCAGACAGGGA
AACTGAAGTTCTGAGGCAGTAAACTCAGGCAGCGCCATGCATTAGCTGTAGTGCATCT
GAAATTGCAGCCGAGCAGCCTCCGCGCGCTCGCGCACTTCAAGAACGCATTTTCTTACT
GTCACGTTTATGCCCCGAGTGGTAATTTGCTTCCCGGCACGCGAAAAATGAATGGGCGC
CATCTTGCGCTGGCATCTTGGGAAATGTAGTTTACAGGCTCAATAACAAGCACGGTCCA
AGAAGGGAGGGGCGGGGAGCAAATCGATCTTGGCCTCGGAAGAAAAAGAACAAAGAAATC
GCTGGCAACTTGCGCGTGCCTGCTGTCAGCCACGCAGTGCGTGGATTAGCCGCTTTGG
CCGTGCCCCGTTGCATGCCGGGAAACGCAGTTTCGCGAGCCCCGGATACGTGACAATAGAT
GACGGGGCTCACGTTGTACGTTACATCAGGTCCCGGCCCGCCGAACCTGGGCGATCCA
CGATGCCGAGTTTGCCACGCTGCGACAGCCATAGGCTTGCCCCCCCCGGGCATTCCGGTG
>EP73375 (+) Hs LYPLA3; range -499 to 100.

TTGGTGTGGGGGCTGCACAAAGGTCCTGGTCAGCTCCTGGTCACCTGAGGCCAAGAACT
GTCCGGGACTCACTTCTCTCTTCTTAAACCGGGTGCCTCAGCAGCGGCCAGCGC
TGCAACCTTATCTCTCTCCCGCTTGTGCTTCCAGATCCTCCAGGTGAGGGGGTCCGC
AAGTGAGAGCTGCGCAGCGTGGATTTGGGTACCCAGGGCTGGGCGGGGTACAGCAGCGG
CGAGCTGGGTTCCCGGTGGGCGACTGACAGCCCGAGCCAGGCGATACCTCGATCCATC
GATGCGCTCGGCGCTCAGCGTGGTCCAGGAAGCAGGGGGTTGGGCAAGGGCGGGGCGGCG
ACCTCCGACTGGGAGGGGCGTATATGGCGGCGAGTCCCTATTGGCCAGCCATTTGCGGGG
GGCGGGCCCTGATTGGCCGGGGGATGCGGGGATGCGGGCGGCGGGGTTAAGCGCGTCG
CCACCGCCCCCGCTAGGCGAGAGCCAGAGAGCTGAACCTGCATCCCGACCTGCGGCG
ACCGTCGTACACCATGGGCCCTCCACCTCCGCCCTACCGTGTGGGGCTGCTCCCGGATGG
>EP73376 (+) Hs MYCBP; range -499 to 100.

TCCAGAGGCCACATCAAGTCAGCCACGACTCAAGGAGACTCCAAAGATAAAAGCTGAAG
CCAAAATATATGATTCTAAACACCTCCTCGGCTACTGCAAAGCACTGTGAGCACTTCT
CAGGACGAGAGCCAAGAAGCCAGCACCTATGGGTACCCACAGTTTCCGAGGTCCAGAT
GAAAAAGATGCGCTCGCTACCACCGTGGCGGGTCTTTCTCTCGCAATAGTCTCAATGC
TCCCGGGCCCTGCCTCCGACGCCAGGACAGAGGTACCAAAATCTCACCTCCTGCAAGA
AACCTAATTGCTACGGGGGCCGAAGAGGAAGAGGTGCGGCTCCGACAGCCAGAGGGGCG
GGCATACGCAGCCTCCTCGGCTCAGCTGCTACTGGGGATGCAGAGCGTCTGGTCGCC

ATGAAACAGGCCACACCTCGGCGATCCCGGCCGGTGGTTTGCAAGTGCGCAGGCGCGCG
CCCCCTTCCGCGCATGAGCAGTGCTGCTCCCAACCCGCCAGTCGCGGTCTCCGGCGCCAG
CTACGCCGCTGCCGCTGTCTACTATGGCCATTACAAAGTGAGGGGGGCGCGGCTGGCTG
>EP73377 (+) Hs ARFIP2; range -499 to 100.

AGCGCTGGAAGCAGAGTTCTGTCATCCGATTGTAGACCAACAGGAAGTCACGCAGCTGAG
AGAAAAGGGGGACCACAACTCAGCGATAAGGGCCCCCACTTCTAGTCAAGGTCGCGCC
GCCCAAAGTTTCCAGGCCGCGCGCCATAGCCCGAAGTTTCCAGCCCTCAAATCCCTGG
CCCTGTGGGGTTCCCGCATGTGTGTCAGGAATGCGAGCTGAACGTCTGGCCTCGAAACGA
CTTAGTTCTCACTTACGTTTGCAGTTGCTGTTGCTGCTGCTGCCGCTCCATCACGC
CACCGGCGCATGCCGTACGCCACTTCCGTTTCAGCTTCTCGGTGCCGCCCGGAAGTAAC
CTCTCGCTGATCTCGAGAGCTAGCTCGAGTATCGCCCTGCCCTGGCTGCGACGTCAGCTC
CGCCCTTATAATCTGCGACGTGGCCGGCTTCTTCTGCCCGGAGAGGACGTCATTTCCGCC
GAGTCCCTGACCTGCTGCTAGGATCGCGACGGGAAGTGGAGCCCGAGGTCCCCGCGCGGC
CCGGGCTGGCGCCCTGAGGGGAAGAGCGGCCCGGCCGAGGTGAGAGGAACATGCTTGG
>EP73378 (+) Hs SF3B1; range -499 to 100.

TGAATGTCTGAGGTCTCTTCCAGCTCTGAAACCGCAGCGTTTCGTACAGTGTTTATTTTT
TTTTAATGGGAGGGGTCTCGGGGTCTTGCTCTGTCGCCCGGTCTGGAGGCTTGAGTACAG
TGCGCGACACGATTACGGCTCACGGCTGCCTCGAACTCCTGGGCTCAAGCGATGCTCCC
GCCTCAGCCTCCAGAGTTGCTGGGACTCAGTGTCTGTTCTTAAGTCCCTTCGTAGAATCC
ACTTCTCTCCAGGGCAAAGTTACTACTTAAGGACCTTACGGCTCGGCTCGGGGATTTC
TGGGTCAACACGCAGGCGACTTCAGGGCCCAACCGTGTCTCCTCCCCACCCACAATGCA
CCTCGCGTTCCCTCTAGGTGGCAGTTCTGTACGTGTACCCGACGGAGCGCGTCCCG
TTTGGCGCACGCGCAGAGTGCAGCCCCAGCTATTTTTCTCCGTGGCGGCGGCGACGAGC
GGAAGTTCTTGGGAGCGCCAGTTCGCTCTGTGTGTTTCAGTGGACAAAATGGCGAAGATC
GCCAAGACTCACGAAGGTAAGCGGTCTTCCCTGCTTACGTGTTTTCTTCGTTGCTAGCC
>EP73379 (+) Hs SPON2; range -499 to 100.

AAGGTGAAAACAAGAGCCCCCTCTGCCCCACGCCCTGAGCTTTCCCGAAAGGCTTGGGGC
AAAGAACTCCCTCAGTGGCACCTAGGGAGGCACAGGAAGGCGCTTGTGGAACGGGAG
AGAAACGGGGAGAGGGAGGAGGACAGGGGGGAGGGGAGGAGGGGAGGAGGGGAGG
GGAGGAGGGGAGGGGAGGGGAAGGGAGGGGACAGGGAGGGGAGGGGAGGGATAGGACAGA
CAGACAAAGAAAGGGGTGCGGCAGCACTGCCAGGGGAAGAGGGTGATCCGACCCGGGGAA
GGTCGCTGGGCAAGGCGAGTTGGGAAAGCGGCAGCCCCCGCCGCCCGCCAGCCCCCTCT
CCTCCTTTCTCCACGCTCTATCTGCCTCTCGCTGGAGGCCAGGCCGTGCAGCATCGAAG
ACAGGAGGAACTGGAGGCTCATTTGGCCGGCCCGGGGCGCCGGCTCGGGCTTAAATAGGA
GCTCCGGGCTCTGGCTGGGACCCGACCGCTGCCGGCCGCGCTCCCGCTGCTCCTGCCGGG
TGAGTACTGCGTGCCCCCGGGACACCCAGAGAGGGCCCGGGCTCCTGCACTTTCCCCGC
>EP73380 (+) Hs PPP2R1A; range -499 to 100.

ACTCCCTCCTCTGCCGCGCAACGGCGGGAGAGCCAGCCAGCCAGCCAGCGGAACCACG
GCCTGGTAACCCAAAACCTGCACACCTCCAGCTCCCCACAGGACGTACGTATTACCAC
CGACGCACGCGCAGAAGCCTTCCCGGGACTCAAGAAAGGGCAGGCTTAGCCTCCTCCCC
ATGTCGCCCCCTATTGGCTAGAACTACTGCTCGTCTCGGTGTTGTTAGCAGCGACCAAG
GGCGGGTACAATCTTGGTCGTAGGACACGGCTAACTTCCGCTTTCTTCCCCCTCTCCTA
GGCTCAAAGTAGTCAAATCTTGTTCCTCGACCAATGGCAAATCGGAAGTGGGCGGGACT
TCACAAGTCCGACCAAAGAAACGCGAGCTTAGCCCTGGGTAGCGCGGCAATGGCCGTG
GAGCAGCCCCCTGAAACTGGCTCGGGCGCCCCACGCCCGCCCTTCTTCTTCTCCAGC
ATTGCCCCCCCCACGTTTCAGCACAGCGCTGGCCGCACTGTGACAGGAAAGGGACGGAGC
CAAGATGGCGGGCGGCGACGGCGACGACTCGCTGTACCCCATCGCGGTGCTCATAGACGA
>EP73381 (+) Hs GNPAT; range -499 to 100.

TCAAGAAAACGTGGAAGGCGGGCTACTTTTAAATCGGAAAGCCTTGGTGCTTCTACAA
GCAAGTAGGATGGTCCCCACACTTGGGGACGAGTTGGAAGGTTTGATGAATAACTCAGCA
GAGCCCCGCTCGAGGGGTGACTTCCGATGGAGAAATGTGTTCTGCTACTGGAACAGGTGGG
ACGAAGGGTGCTTGACATGCAAGAACCTTTAGCCTCAAAGCAGAGGCCAACCCAGGACGG
GCAACACAGGAGACCCACGTTCTCAAATCTGTTCTCCACGTGGGCTCCTGGGACCCCGC
ACTCAACAAAGTCGTAAAGGTTCTGGAGCAGAGCGTCAAGAAAGTGTGCGAGAACTGGGAG
GCGTGAGGAGACCCCGCCCTTGTCTGCGACATTGTGGGGTCAGCCGAGGAATCAACCC
TCATTCTGCCGCGCTGCACCCCGCTTCCGGGTTCCGCGACTGCGCGCATGCGTGCAGG
GCCCTGCGCGGCTTCCGTCTGGCTGAGATGGCGGCGCCCGGGATCCTGTGTAGCGGCTG
CAGAGGGTGCCCGGCCCTAGGCGAAGTAGGGCGTCTGAGCGAAAGAACCCGCCCCAG
>EP73382 (+) Hs PNLIP; range -499 to 100.

GAAATAAATCAGTTCTATGGACTATCAAAATTAATCAAATGCTTTTCCAGAAGGTATGAG
CTCTCTTGAAGGATTGCTTCTATTTCACTGTTTTTGGAGGTAAGGCAAGGTTATACAAA
ATGGCAAGAGCTGGTAGGCTGCTGGTATTTGTTTTAAGACTGCTGTTATCAAATCTGTG
AAAACAATTTAATTTACACATGCCACAGACAGGCACAGAGAATTGTGAACTTAAAAAG
AGACAGAAAGACTAGAACCTTTACTATATAGAACCTTTACTATAATGAAATTAAGTGGT
TTTGAGCTTTACATAATCACATATCTACCCCTTTCTCATCATCCACAACCTACTATGGA

AAACTTTACTCTGTCAACCTTAGTTTATCTATGATTAATAATAGAAACACATCCTTGGGC
CTTTCTTTGTCATGCCATTTTTCCACGGTTTCAAAAAGATAAGCTTCGCCTATAAAAGGAG
TTTTTGTGCTATCTGTTGCGTGTTGGAACCTGACGGAAGTCCACGGTGAGTCGGGAAC
ATGTTTTCCAGGCCTAATTGATCAGAATGTATCCATTTTCCCCAGAGGTCTAAATGAAC
>EP73383 (+) Hs PPIB; range -499 to 100.

AGCCACAACGTTTAGAGCCAATTTGGCGGTGACAAACACTTGACTGGCCCAAAACAGTGA
CAAGCTTCCCGTGCCCTTGTCCAGGCCACGTATTTGCTAACCTCAAGCGCCAGCTACC
GCAGGCCAGTGGAACAGCGCTCCGGGCGGGGCGGGCCGCGGAGCATGCCGGGGCTTGTGG
TCTTCTCGGAGCCCGGGCCCGTCTCTGCGAGGCCGCTTCCGCCGGTGCCCTTCTGTG
GGCGGGAGAGGGCGGCCGGGAGCCCAATGAGGGAGCAATAACGTGGCAACCCACCGAG
CCCGCGTCTGGTGCCCGCCCCGAGGGGGACCTACTATCCGGCGCCGAGCCGGAGGGGGGA
AACGGCGCCCGCCCGCCCGGAGCCCGCGAGCAACCCAGTCCCCCCCCACCGCGCGT
GGCGGCGCCGGCTCCCTAGCCACCGCGGCCACCCCTTCCGGCCTCAGCTGTCCGGGC
TGCTTTCGCCTCCGCTGTGGATGCTGCGCCTCTCCGAACGCAACATGAAGGTGCTCCTT
GCCGCCGCCCTCATCGCGGGTCCGTCTTCTTCTGCTGCTGCCGGGACCTTCTGCGGCC
>EP73384 (+) Hs CA12; range -499 to 100.

TATTGCACTCCGGCCTGGGCAACAGAGCGAGACTCCGTCTCAAACAAACAAACAAAGGAA
CGAAAACCTCCGGTCTCCGGCACGGCAAGCTCTGCGTGAATTACTTTCTCCATTGCAACT
CCCCTGTCTTGATAAATGGGTCTGTCTAAGCAGCGGGCAAGGTGAACTCGTTGGGCTGT
TACAGGACCACTGACAGACCAAGGGCATGCCACTGAAGGAATCCCTAGACGCACCCTTCT
GGATGTGAGACAGGCGGATCTCACCCACGCTGCCAGCAGCTCCTCGGAGAACTGTGTTT
CTGGGTGAGCCCTGGCCAGAGGAGCGCCGGGGACCCGAGAGTGTCTGCTGAAGTCAAGG
CTACAACCTACCTAGGATCTGGGGCGCCAGCCCTCCGGTGGGAGGGCGTTCTCTCCCC
CACCCCTCCCCGCACGATGACATCAAGTGTGTTGGCGTTGAGTTGCTCCATAAAAGCTGC
CCGGGGAAGCCAGGAGAGCGAAGGGCGGACGTAAGTCTGCCACGGCACCCAGGCTGCGCGCA
CGCGGTCCCGGTGTGACAGCTGGAGAGCGAGCGGCCACCGGGAGCCCCGGCACAGCCCGC
>EP73385 (+) Hs CSNK2A1; range -499 to 100.

AAACCCTAATTTAAACGAGGGGTGAGAGCAAAAGAGACTTCAGCTCCCAGAATGCTTGG
CTCTACAGCTCTGCAGGTGCGCATGGTTCTTTCAAGAAAGGGGGGCCAGCTGGGTGAA
GTGTGGGAAACCTGGGTACCGCCATCTTAAGTGGGTCAAACCAACTGTTACCTAATGG
GAGGTTCTGTCTCTCTGTTGTCACTTGTAACTATTGAAATAAAATGCGCTTAAGT
ATTGCAAGTCTCCTTATTCTGCTTTGCGTTGGGGATTCTTCCATTTTGACCCCTAGGCC
AGAAGTGAATCCCTAAGTTACAATAGGACATCCAGCATGGCCGCAATTCAGAGAGATTC
CTCTGGGGGCGGAGTCGGAAGCTGTCTCGCCCCGCTCCTGGTAGGAGGGGGTTTCCGCT
TCCGGCAGCAGCGGCTGCAGCCTCGCTCTGGTCCCTGCGGCTGGCGGCCGAGCCGTGTGT
CTCCTCTCCATCGCCGCCATATTGTCTGTGTGAGCAGAGGGGAGAGCGGCCGCCGCCGC
TGCCGCTTCCACCACAGGTACCTAGGGAGCAGCCAGGCGAGGTGTTGGCGGGTGGGGTG
>EP73386 (+) Hs XPNPEP1; range -499 to 100.

CATACTTTTGGGGACATTTCTAAAGCTTGAGACCCTGTTCCAAAGCCTCGAAGACCCTGT
CGAGGTTCTTCCGGAGCCGGCCACGTCCCTCTCTTCTCAGCCCTCCTAAATTAAGCCGGA
AAATCCCTGGGACAGTAGCCCTTTATTGCGCAAAGCCCTTTTCTCTTTGAGGAATGA
CGACAAAACGAACAAAATGAAGACACTAGCAGCACTGCGTCTTTCCCCGCTCGCTG
CAGGGAGAGGCAATGCGGACTGGTGTGGAAGGGCAGGCCCGCTCTGGGCCGAGGCGCT
GCGGCCGCGAACCCAGGTCCGGGAGTGTGGGCGGGGCTGCGTGTGGGCGGGGCCGCGG
CGCCAGCGCCCGCCACGGGCGAGGGCGTGGCCGACCGGGCGCTAGCCCGCCCGCCGCC
GCCGGCTCTCGCGCTCTTCCGCGCCGGCCCTTCCGCGGGTGATCAGTGGTCTGCGCTC
CCCTGACGTGGGCTGGGGCACGTACCGCCGAATGGCAGCCTCCAGAAAGCCACCGCGAG
TAAGGTGAGGGCACTCCGCCGCGAGCCGGCTCCGGGAGCGTGCAGCCCTCGTGCAGC
>EP73387 (+) Hs SFRS7; range -499 to 100.

CGGGGTTTCATGACTTTTACCATGGCCAAACCTTCGATTACCTCTGATGAGCCCCAAAG
ATCAGAGTAGCTGACTAGGCCAGGTCCCCAGCAGAAGGGCGCGACGGCTGCAACATCAG
CGGTTAAATTGTACAGCCTTTATAGGCCGGTCTAATGCATCCGTAAGATTGTTAAG
GCTGAGGGTCCCTAGCCTGGGAAAAACGAAAGGAGGAGAGGGTAGGGAGACGGGAAAG
AAGACAAGGAGGGTGTAGAAAACGGGGAGAGGAGGGGGCGGGACAGCATGGGGAAGGCCT
CAGGTTTACTGGAGAGATCGTGGCGTTCCCATAGAAACGTATCCCTCCGCCCATGACCCG
CGTGTAGTCTCTTCAAGTTCCTTCCGCGTCTGTTTCTGGCTGTTTCCGCCAGCTCCTTT
GTGCCGCGCAGAAACAGAGATGACGCATGCGCAAAGCGCAGCGGCCGATATATAAACG
CGAACCCGGGCTCTTCTCTGATGCGCGCGGGACTCTTGGCGGGTGAAGGTGTGTGTCA
GCTTTTGCCTACTCGAGCCCTGGGCGCTGCTTGTAAAGAGCCGAGCACGCGGGTCTGT
>EP73388 (+) Hs BCAP31; range -499 to 100.

CCGCAGCCTGGCTGAAGCGACAGTGAAGTCTCCACCGGCCAGAAATCCCCACCACTCTT
CCCCAGGGGCGAGTCCGGGGAAGGGGAGGAGGCGAGGAGGGGCGAGGGGCGAGTCCGG
GCGCGGGAGCCCCACCTGTTCTCGCCCTCGGCGGGGCCCGCCACACCCCACTCCC
GTTCTCGCCCTCGGCGGGGCCCTCCCGCACACAGAGACGTGGGACGGCCGCGCGGAC
TAGAGAAGCGGCCCTCGCCGGCCCGACAAAGCCCCGCCCCGCCCCGCGTGTCTGCT

CCACCCCGCCCTGCTCGCCCGAGCCCGAGGCGCTCTTCTCTCCCGCTCGGAGCGCCG
GCCCTCCGCTCCGGGGCGGGTGGAAGCGAGGTGGGCGGAGCTCCGGGGCTCGCGA
GGGCTGGTGGGCGGTGCCGCGGGCGCTTCCGGTTTCCGGCCGCGGTATGAGGGGCGGG
GCCGGGGCTGCTGTGGGAGATTCTGTTGCTGCGCGGGGCTGCACGTTGACTGTGGGA
AACTCGGTGAGCGGGCTCCGCGCGCGGGCTGGGCTCCGGGACCGCGGAGGCTCCCCGGC
>EP73389 (+) Hs RPL41; range -499 to 100.

GTCTCAAAAAAGAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAA
GAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGGCAAACAGTAAAACAAGA
ATTCTGTACAGTCCGCGCCTATCCATAGCAAAATGGAGGACTTCTCCAGGGAAGTCAA
CTCCCAAGAAGCAATGCGAGGGAAGGTGGCGGTCACTATTTTTTCCCGTCTGCACCTCT
AGGTCCAATATTGGAATAGGTGCTGACGTTTAAATAACACAGCGTCCTCATACTAAATC
TGGGGGGGAACTGGTAACCGAAAACCAATACTCGGTCTTCCGAAAGAACTAACTCAAC
CTACCTTCTACAAGAGGGTCCGAAAACCACTGTTACGCCCATTTGGGTAGCCCCGCCCTT
GGGGGGGGCAAAGGGCGTGAAAGCGGAAGTGACGACACCCGGCGCTCCATTAAATAGCCG
TAGACGGAAGTTCGCTTTTCTCTCGGCCTTAGCGCCATTTTTTGGGTGAGTGTTTTTTG
GTTCTGCGTTGGGATTCCGTGTACAATCCATAGACATCTGACCTCGGCACTTAGCATCA
>EP73390 (+) Hs MGST1; range -499 to 100.

AATTGTCTGGTATCATGAATTTGGAACACCGTAAGTGATCTTTACTGAGGGTTACATTCT
GTCATTGTCAGCCTTTTAAGGAGGCCTTGCCACCAGCGCAGGGGAGGTGAAGTCTAAGGG
AAGGTAATATTGTCAATGCCTGCTAATTAGTTCTACCTGGAGATTTTAACTTTCTGCGA
AGTTTTTAAAAACAAGTTCAAAAGTCTGCTGATCCTGAAATGTTGAGAATTCAGAGTT
CCTAGACAATGGCTACTGTCCCCCTTCCCACTGATTAGGGGAGTTGGCATTTCAGGAACC
AGAGTTTCTAAGGGCGCCAAATAGAAGGGCTCAAAGGGAATCAGCAGGCGATGGTTACTG
TGGGCGGGTAAATCAGGTGATTTAGAGGAGGGGTTTGGCGAGGTTGGGGTCGGGCTTTAA
ACGTGGGAGGGCTAATTAACAGGAGATTAAGTGGAGAGGGGCGGTGCCTCGCTCCGGCCC
GCGCGGCCACAGTCCCTGCATTGCGCGCGACCCGGCGCGGGACAGGCTTGCTGCTTCCT
CCTCTCGGCCTCACCGTGCGTACTGGGAGGGGAGAAGGGGACCGCATGCAAAGGTGGC
>EP73391 (+) Hs TMSB10; range -499 to 100.

GAGGAAAAGTGGGGGAGGGAAGGGGACTCTGGAGGAGCAAAAGCAAGAGGCTGGGGGCG
ACTGGGGTGGGGCGTCTCCTAGAGCGAGGATTGCTGCAGAGTGCGCGTGACGCCCGCAC
ATCCACACCCACGGCTACACATCATATCTGCACACGCACAAAACACACACCTCCACG
CCGGTCCCATATCCTTTCTGCGGGGTGAGCAGCAGATTCCCGGAAAGGGGAAATGTAGC
CGCAAAAGCAAAAGCCGGGGGCTGGCGCCACTCTGGCGGCGACTACAGCCCCACGCTG
GGCACAGCTGCGAGCTGGGGGTGCCCGCGCGGGAGAAGCGCGCCAGCCGCGGCTGGTAG
CCCAGCGGGGGCGCGGCAGGGCGAGGAGCAGCCGCGTGCTCCCGCCCTCGGGTGCC
AGCACCGCCCTGCTGCGGCGGGTGAGGGGCGGGGCGGGGCGCGGCGTATATAAGGCTAG
GGGCGGGCGCGCTCTTTTGTCTTCTGCTGCAGCAACGCGAGTGGGAGCACCAGGATCTC
GGGCTCGGAACGAGACTGCACGGTGAGTGCGGCGCGGGGCGGGGGGCCACCCAGGGTG
>EP73392 (+) Hs CALM1; range -499 to 100.

CTCCCCGCGGACCCCTACTCTCAGGACCTCTGCAGCACCCCAAAGTGGCCGC
TGCAGACCCAAGGACGAGGGGCGACGCGGGAGCCGGCAGCCCTAGTGGAGCGGTTGGAGAT
GTTGAGGTGGGAGGGTCACCCAGGTGGGGTGAGGCTGGGGTAGGTAGCGAGTGAACGGC
TTCCGAAGCTCTGGGCCGCCCCAGGTTGGACTAAGCAGGCGCTCTGTCTTCCGCCCCGC
CCAGGGTGGGCGTCTCCTGAGGACTCCCCGCCACACCTGACCCGAGACCGCGCGCCAGC
CTAGAAGCTTCCCCGACCCAGCGTAGGGCCGCGCGACTGGCGCGCAGGGGGCGGCGGG
AGGCTTGGCGAACCCGGGGGCGGGACAGGCGGGCAAGGCCCGGTGCCGAGCGCGCGCT
CTGCGGAGGCGGCTCCGCCGCGGCGGAGGATACGGCGCACCATATATATATCGCGGGG
CGCAGACTCGCGCTCCGGCAGTGGTGTGGGAGTGTCTGGACGCCGTGCCGTTACTCGT
AGTCAGGCGGCGCGCAGGCGGCGGCGGCGGCATAGCGCACAGCGCGCCTTAGCAGCAGC
>EP73393 (+) Hs NDUFV1; range -499 to 100.

GGAAGCCACAGTCTGGCAGGGCTCGCACTGGGCAGAATAATTGCAACGTAGTCATGAGG
ATCGGGCTATGACCTGCCTGACTTTTCACTCCTCCATGATACACCGATGCATACCGCAG
GTGCACACTAAACGCCGAATCTATAGAAAGTGGAACACACCAGGACCCAGCAGAAGGCGA
CATGCGAGGTTTGTCTTACTTGTGGCATCAAAGGCTGGGAGCCGGCGAGCTAAGGAGGGAG
CGAAAGAGCGAGCGGTGGGGACAGCCACCGCTAAATGCCAGCCCGGTGGAGGGAGGAAGG
CGGACCCAGGCCGGTGGGACCACATCTCCAGAAGCCCGGCGCCAAGGCACTGGCCTC
TCAGTCTCCCCGAGGAGGCGGGGCGCTGGCGAAGTTGAAGGGGCGCAGCGATACCGG
TGCGCGGCGCTGGCGTCCGGGCGGTGACGTCTTCTGCGCGCCACCTAGCGTCTCTATC
GCGCCAGTTCCTCAGCCTCAGTGCTATGAAGGTGACAGCGTGAGGTGACCCATCTGGCCC
GCCGCGATGCTGGCAACACGGCGGCTGCTCGGCTGGTTCGCTTCCGCGCGGGTATCTGTG
>EP73394 (+) Hs LILRA2; range -499 to 100.

ACTCTCTGTGCTCACTGCCACACGAGCTCAACCTGAGCTACACAGCCAGGTGTCAGGT
GCGTCTCTGCTGATCTGAGTCTAACTGCAGCATGGACCTGGGTTTTCCCTGAAGCATCTC
CAGGGCTGGAGGGACGACCGCCATGGTAAGGACCCCGCAACGCTGAGCTGATGGACGGG
TGAAGGAGGGAGGGAGACCCCATGGGAAGCTCTGAGAAGGAAGAGGAAGCCTCTGCTCA

CCCTCATCTGGAAGGGCAGACGCAGGAGGGCACCAGTTCTATTTGCTGCTACATCCCAGG
TCTCAAGGAGATGAGGATAAACACAGACAGCAGTGGCTGGGGGCGAGGAAAGACCCATT
TCTGTCTGAAATGTCTGCAGAGGGCCTGGTGCCTGCCCCACCTCAGCCCTAAAGGTATG
ACAGCCAGGCTCCTGAGAGGGCAGTTGCACTTCCTGTGTGGTTGCACATAACAAAACCCC
ATGACAAGAAGGATCCAGCCTCCGAGTGTCCACACCCTGTGCGTCTCTGTCTGCCAG
CACTGAGGGCTCATCCATCCGAGAGCAGGGCAGTGGGAGGAGACGCCATGACCCCCATC
>EP73395 (+) Hs OS; range -499 to 100.

TGACACAAATTTTCTGATTGCCTCAAAGCAATATGTATATATGAAAAGAGGTAAGCGTCC
GTATAATAATTGTTTGTGTTTGAACAAGCATTTAATAACTTTACCGGCACTGCGCACGC
TACCTATCTGCCTCAATACTCCGCCGCGGTGGGCAGGATATAATGCAAGAGACGTCTG
AAAAAGCAATGAGATGCGCATGACAGCTGGGCGAAGACAGAGGGCAAACCTTAAAAGGACC
AAGCGCATAGACCACGCCTCTGAAATTGGGGAACGAGGAGGGGTTTGATCTTGTCTGATGA
TTGGCTGGTCTCTGACCAATCACGGACAGCGATTGATATTTCTAATCGTCGTGATCCACC
TCCCCAGGACCTTGAGCCACGTTTACAAATAGGAATAGGGTACGTGGGAGGGATAGAAC
GTACAGCCAATAAAATCATGTGGCGCCGATGGGCGTGTGAGGCCGCTGCCTGGCTTAGG
GCGGAAACAGATTCTCTGCATAAGAAGGGGAACGAAAGATGGCGGCGGAAACGCTGCTGT
CCAGTTTGTAGGACTGCTGCTTCTGGGACTCCTGTTACCCGCAAGTCTGACCGGCGGTG
>EP73396 (+) Hs RIPK3; range -499 to 100.

ATTATTTCCATATGGGCTTAGCGCAAGGTACTTAAACTCTCAGTGTCTCAGTTTCCTCACC
TATAGAAAGGTAATAAAAGCAGTACCTATCCCCTTAGGGTTCGTGTGAGAATTAAATAAG
CTAATATATATACCTGGTGCATGATAAGTTTTATATACGTGTTGGCTATGATCTTAGGGC
AGCTGTGAGAGAGCTGAGCCCTAGAACCATAAAACCCTCCTAAGCACCATCTCCACTCAT
GGCCTGGCAGGTCTGGAGCAGGAAATCCTGTGGGAAAAGGGAAGGCTTTGACTGTAGGA
GTGGGTTGATTGTGGGTTCTTGAAGGTGAGGACTCCTTCCCTAACATCTCAATGCCCA
GCAACACCTAATCTGGCTGCGGCAGGTGCTCAGGAAACGCTAGTCAAGGAGAAAGGCACT
AGCTTTCGCTCTGCCCCCTGCCCCACCCAGGGGCGGGACTGTAGAGGCGCTATAAGGG
AAGTTGTTCACTCAACTCGGAAAAAGGGTAACAACCCGGAAGTAGACTCACCGTCTTGG
TCTAGAGACTGACCCCTGCACAGACAGACCCCTTCCCCTCTCTGCGAAAGGACCAAGCCC
>EP73397 (+) Hs RNP24; range -499 to 100.

CACGCCTGTAATCCCAGCTACTCGCGAGGCTGAGGCACGAGAATCTCTGGAACCCGGGAG
ACGGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCACTGGACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCAAG
ACTCCGTCTCAAAAACGAAACAAAACAAAAGAAAAAACCTTAGTTTCAGCCCGCACATT
CCCTCAACTCTATCGTGCCTGCAAAATGTTTCGCCATCTTCTTGGACAATCCTAAGAGG
GCATTGCGAGAGGCTTCCGGACACTGTGTTTTCTGGGAAGTCCACAGGAACCTTAGCTT
GGACGAGAAAGGACTAGGGAAAAATTTTTGGTCCTTCGGAGCCGCCGTCCAGGCTCGGGC
CGCGCAGAGTCGCTTGTCCCTCGGCGGCTGCCGTGCCTCCCTTTACGTGGCAGCTGCGGG
AGCCCCCAATCCACTGCGCCCGCATCAGCCCCACTGGTGGCGCAGGCGGAAGGGGCGG
AGCTTAGGCGGCGGTGGCTGAGAAGGCAGCGGGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCT
GTGGAGGCCGAGTCCGGGTCTGGCTTCGGCCTCAGCCCCACCATGGTGACGTTGCTG
>EP73398 (+) Hs TDE1; range -499 to 100.

TCCATCGTTTCTAGGTTAATTTGGACTCATCCTTTAGTTTCGAGATTAATAAATAAATCC
TTCAGAGAAGCCTTCCAAGACTACTGCCAGCTAAATTACTTTCCCCTTACAATAGGAGG
CACTAAATACACCTTTATTGAAAGCCTATTTCCCCATACTACTTCATCGTATTCAATACA
TTGGGGCACGGTGCATTTATGTTGTGATCTCCTATTAAGTAGAGAATAAATCTGAGC
GTACTGTGCCTCTCTGTACACTTCTGTAACCTCCAGATCTTGCACAAATGAATACAAATG
ATGTAAGGAATGACACCTTCAGATTCTGCAACCCAGGATGGTTTAGCCCCACCTTCC
CCCTCAGCCAATGACAGGCGCCCCCTCTGCCGCTCCGGTCCGGACGGTGGGCGGGGCC
ACGCCGTGACGCATCCGTGCTGTGGAAGGCTGCGTTTCCGGCCTGAGAAACCGTCAT
GTTTCTGGGGAGTCACCTCAGCTGGCAGTTACCACCGTGTAGAAAGCAGCCTCAGGACC
GGCCACCTCCATCACTGGCGTCACCATGGGGGCTGTGCTGGGTGCTTCTCCCTCGCCAG
>EP73399 (+) Hs TMP21; range -499 to 100.

AGTGTCTCAGTGCCCCAGGTGTCATCAAGGTGTCAAAGGCGCTTGGGAGTGCCTGCAAAC
CGCCCCATCCCCGAGACACAGCCTCATCCCCGCCCTCGCGCCTAGGCGGCCGGTGGGC
GGGCCCAGCGAAGGGCCTTGTGGCTGTTTCTATTGGGGCTTGGTTGCTATGGTGTCACT
CGCCTTTAAACTCGTGGGTACATCTTTCGAAATTAAGGAGAATTACTTCCAGGGCTGC
CCATACTTGCCATGGCCGACTCAGTAGTCACTAATTTCAACAAAAATAAACTGTTGCAA
TAGTATTCTATTAAAGCTTCTTAACTGCTTAAACTTGCGGTTTTGACATGGTACCTATC
CTTTCTTCCCTTTTCAAAAGATTGCTATAGAGTCTTCTCTACATGCCAGTCTCCAAAA
TGGCGCGGACGGCATCAGAAGGTGAGAGGTGAGTCACGTGGGTCCCCCGGTTCCGGCGC
GGTTGAGGCCTTCGGTGGTGAACGAGTCTCCAGCACCATGTCTGGTTTGTCTGGCCACC
AGCCCGGCGCGGCCCTTTCCGTTAGCGTTGCTGCTTTTGTCTGCTCGGCCAGATT
>EP73400 (+) Hs TOMM34; range -499 to 100.

CACTAGGTACCAGGTACTTTCTAGCCTTGGAACTTTGCACTTACCATCCCTCTGGCTGG
AACAGCATTCCTAAATCTTGTCTGGTCTCAGCTCAACTATTACCCCTGAGAAAGGCCT
TCCTTCATCCCTTATTTAAAAATAGCCACACGTGGTCACTTTCCATTGCATTATCCTGT

TTTGTTTTTCCTTACAGCACTAATCACATGAAATGAGAGTCTTCGTTTGCTTATCAGTTAA
TTGCCTGTGGGGACCCCACTAGGACATAATCTCCCTGATAGCGGGGCCAGCCTCCTTCCC
TGCGTCATCCACGGCGTTCTAGCAACTCAGGGAGCCAGAGCATGCTGCCGCCCCGCGTG
CAAGGGAGCCTAAGTTCCAAACCGAGCACGCGCAGAGGGCGGGACGCTCCGGGCCTCCAG
GTCTCGCAGGCCCCGCCCCCTCGCCGCGGTTCTGCTGTTGGGCGGAGATATTCGCCGCCG
GCGCTTGCGCCCGAAGGTGTGCCGACCACACGGGGGAGGAAGGAAGGAGCTCCCAACT
CGCCGGCCTGGCCACGGGATGGCCCCAAATTCAGACTCTGTGGAGGAGCTCCGCGCC
>EP73401 (+) Hs IDH3B; range -499 to 100.

ATAACTGTCAGAGCAAAGAACAAACCCCTGTAAGAAAAAATACGAGGCGACGGGTAATA
CAGAGGTCTTGGGCACTCTCGGAGACTGGCGGAGAAACCCGACACACCTCCCATGTCT
GTAAGTGTATTCCTCGAGAGCCTGACATACAGGTATTCAGTGAGTACTGGTTAAAAGAATA
ACAAACGCATTGACACACAAATTTTAACAGCTTCCCAAGGATTTTCTCTCAATCGCTTGT
TAAGCTCAGGTCTCGTCTGATAACATGACGCTACATTTTTCCCCCTAATGTTATTTTG
AAGTTTCGACGTAGATTAAATATGGCGACTGAAAACAAAGCAAGAGACAAAGTGCTTGCG
CATCCCATGACCTCCCCACCGGAAGGAAAAGGAGAAACAGGCGTGAGCAAGCAGTGCTG
GTTGGCGCAGAGAGAGAAATACCAGGAACCTCAGTACAGGCCGGAAGTCGGGGTACGGGGC
CGCGCCAGCTTCAGGCGTCACTTCCCACGCGACTTCTGCGGGAAACATGGCGGCATTGA
GCGGAGTCCGCTGGCTGACCTGAGGCGCCCGGGACATGTGCGGGCAGGGGCGGGCGAA
>EP73402 (+) Hs JM5; range -499 to 100.

GACAGGGTGGGGAGAAAGAAAGCGAAATCTGTTCTTGGCTTCTCGGAGCCAAGGAGTT
TCTCCACTTTCAAGGTCTCCAGGTCCGCCCCCGCTGTAACCCCCAGCGCCGCCCTCTG
GAAGCCTGGGAGGACTGTGTGTTGCGAACCAGTGCAGTACTCTCGGCCGCCGCGGAGGT
CCGCGTCTTGTTAGCAGGGAAGGTTTACTCCCCATTGTGGGTGACCAAGGGGCTGAGGG
CTTGCGCCGTTTCTGCTTTGCTGGGGCAAGGCACGCTCTCTCTCCCCACCCTTCCGGGT
CCCTCAGACAGTCTCGGCCTTGAGGAACCCCTTCGCTCCGGTCCCCAGCCAACCTTC
CTCCGCTCCCCGCGCCCTCCCGGAGAACCCCACTGTACTCGCGATGCTCCGAAGACCC
GGGAACTAGGCGAGGAAGGCGGTGGCCGCTTTTTCCAGCTGGGGTGAGTCATTTCTCTGC
GACAGGCTCCCTCCCCCGGAAGTAGGGCCTGATGTAACACCCGAGCCGGGCTCCAAGGC
CCGGGAGGTCAGAAAACGGGCGCGGGCGGCACCGACAGCTGGGGCCCGGTGACGGGAC
>EP73403 (+) Hs KIF3A; range -499 to 100.

ATGGACGGATCACTGGTTCTTTGACCAACACGTATAAAAATCCCACTCTGTGCCAGGCTC
TGTGTGGGCTCTGGAGATAGATGTGAGAATACTAACAATCTCCTTAAGAGAGCTCACTTT
CTAATGGTAAGACAGGTCTAGGAAAGTTAGCAATCAAGCGAGGTCAAGTAGGTAAGGTC
TTCAATTCTTCGGATGAGACAAAATGTACAATTGCTATTACTGATTTTAATATTCCGGGT
ATTGCAAGGGCCAGAAGACGGGCTAAGAGCAGCTCCTCCTCCAACCCCGGGCTGCCAG
GTTACCTCCGCCTCAGTGCGTGCCACATTTCTAGCGCAGCAGAATGGCAGCATTGCGCAC
GCGCGGCTCAGTCTGGCGTCTAGGAGATGGACTCGGAAAGCCTCCGCGCAGGCGTAAT
TCAAGGGCCGAGAGAGCCTGAGACTGGGCTTGGGGCGGGGCGAGCTCGGAATGCGGCTGC
GCACTGGGCGCTCTCGCCGAGAAGCCGAGTCTCGAGAGCGTCAACGAGGTGTTTCGGT
AGTCTCTGGCCATCCTTTCTGCGCACCCGGTGTGCTGGGCTGCACCCGGGCGGGGACG
>EP73405 (+) Hs PWP1; range -499 to 100.

TGTTTGCCAAGACTAAATCACTACTGCATAGTTAGTATATAATTGGTGCTAAATGTTTTT
TTCTCACTTTTTTTTTTGGTGCTAAATGTTTTAAGGTGAGAAAGTAACATTTAGGGATGT
AATGAGATGTAATGGTGGGATCTCCGTGAAACGACAAATTCATTTTGGAGAAAGCTTTTT
AAAAAACGCAAAACCACAAACCTCTGCCATTTGTACGCTTGAAGTCTACGGAACCTGCAAGC
AAAATAAAGATTGGTGAACTTTGCTTCTGACTGACCCCTACAGTCCCAATATTTTCTT
GGCCTTTACAAAGCCCGCAGGCATCGTCACATGCAGTCTGAAAAGCCTTTTCTCTATAC
TTCACACAGCCCAGACCAGCCACGTGGATTCTCGCCCGGCTGCTTCCGCTTCCATTTT
GTCCCCCTCTATTTCTATTCTGGCGCCTCAGAATGACGTCTGAAATGAGCGCCGACGCTG
CCCAACAGGAGCCTGCGCATGCGCTCTGCCCTGGCAGCGGCCCTGTGCAGATCCCTGAG
CGTGTGGCAGCAGTGCGGTCTGGTCCCTCCCTATGCAGCCTGTTTTCTAGCGTGACACG
>EP73406 (+) Hs SLC25A5; range -499 to 100.

GCTTGCTCACCTAAACCCAGCCTTGACACTCCAATTAACCTTTATTTACAAAACAAGG
GGGCCGGCCAGTAGGATGTAGTTTGCCATACGACTTTTTTAAAGTATCGCATTGACTAC
TGTTTATCTCGATGACTGAAGGGTTCTTTTGGCATCCCTGTAGCAAATGCGTCTCACCT
AGTCTGGTCTGCTCCAAGGGTTTTTGTCCAGGCACATCGTGACCTCACCTTCTCTCC
CTCTCCGAGGCCTCTCTCAGGTTCCAGCGTTCAAGTCCCGGTGTTCTCTGGACCCGCC
CTTCTCTCGCCGGGTGAGTGCCGAGGGCGAGCACGGGCGGCGGAGAGCAGTCCCGG
CCCGCCCTCCACGACTCTCTCTCTGCGAGCTGGGCCACTCAGCGGCTCTGCCGCCACG
GCGCCGGGGCCAGACCCCGCCCCGGCCCCGCTCCGACGCTGCCGCTCCAGCTCCGGC
TCCCCCTATATAAATCGGCCATTTGCTTCTGCTCCGCCCGCAGCGCCGGAGTCAAAGCCG
GTTCCCGGCCAGTCCCGTCTGCAGCAGTCTGCCTCTCTTTCAACATGACAGATGCCG
>EP73407 (+) Hs ARHGDIB; range -499 to 100.

TTTAAGGACACATTTTTAAATTTAGGACCGTAGTATATGCAGTTAACAATCATCATTTCT
TAGCACTCTACATTCAGTCCAGCAAACTTCAACGTATCTGGTTGATAATGAAGCTGGC

GGGGACCCAGTGGGAACAGAAGTGAGTGGTACAAAGTAAAGCCGATGTGAATTTATTGCT
ACTGGTTTCAGGCTCCTTACCTCCATAGGCTTATGCACTGCAATGACCTGATTATCAGAA
ATACCCTCACAATTATTTCATAATACCCATAGCTATAGGCTCCACACTCTTGCGTGTACAT
TCATGCATCTCCACGTACACGGGCTGTCATGCTCGCACATGTGCCATTAATTGACAAGA
ATGCTGCTCAAGTTGGCTGATCAAGAGATAGGCAGTGCAAAGGAACAGGATTTGAGACAG
CCCAGGGTTTCTCTTCAAGTAGGTCTAAAACATTTTTTTTTCTCATTGACTTCCTTCCT
GTTCTAACTGCCAGTACTCAGAAGTGAGAGTGTGAGAGACAGAGGCACCCCGACAGAGAC
GTGAAGCACTGAATGTAAGTTCAAATACCTCGGGCTGGGGAGGCTTCAGGTGGGCACAGA
>EP73408 (+) Hs BTG1; range -499 to 100.

ACGAGATGTAAACACGGAGTGGGGACATGCAGCCGATCTGAGAAGGCGGCGTGAAGAGT
AGACACAGCCTGCGCCAGGCGGTTCTTATTACCCAGCACTTACACTCCAGGGCAAGCGG
GCCCAGGCAGCGCACTCTTGAGAAGGATGCACTGGCGCAGAGCCTGGACCTGCTGAAGC
GGGAAGGAGGAGCTAGGGCTGGGGGCGGAGCTTTCACACGCGCACCCCTCTGTTCCCTCCC
TCCCTCCCTCGACACAAGCAACTGGGTCTCCAGCCGCCACTCCGGGTTTATTTGTTTACA
AGCGGATTACGTCAGTCTCCTCTCTTCCCTATCTCTGGACCCGCTCCTGAACTCTT
TTCCCGCCCTTTTCGGCTCCGAACCGGCTTGCCTCACAATGGTGCGATATTCGGATTGGC
TGGAGTCGGCCATCAGCTCCAGCTACGCCACTTCTTTTTCTGTCGCACTATAAAGGGTGC
TGCACGGCGCTTGCATCTCTTCGCTCTCGGAGCTGGAATGCAGCTATTGAGATCTTCG
AATGCTGCGGAGCTGGAGGCGGAGGCAGCTGGGGAGGTCCGAGCGATGTGACCAGGCCGC
>EP73409 (+) Hs CST4; range -499 to 100.

GCAAAGAAATTTCCACATTAGGGTATGGACAGGGTCTTCTGGAACCTTTCTGAAATAATC
TCCCTGTTCCAGAGATTGAGAGCTGTGACCAAGTGTCTCTGGATGCCCTGATATCTGA
AGACCCTGGGAGGCCAAGCCCTGATTTTTCCCTTTCTGAGCAAACAGGAAGTCACATA
GCTTTACAGTCAAAGGACCAAGTGTACCTCTGTGGAGACCTGGGTGACTCAAGCTTGGG
AGCACTGGGGAAGAGAGGCATGGCTCGGGGAGGCTGCAGTGAGGACTGGAGTGGGGAGGA
GGGGGAGATGGAGGAGGAGGCTTGGGAGGGGCAAGGGGAACCTTAGGCAGGGAGGGAGCTT
GTAGTAGCGGGGAGTGAAAAAGAGAGATGGAGAAAGAGGGGATGGGAAGAAAGAGGAGGA
GGAGTCAGGGGTGGGGCATGGAGGTGGGTGGGGCTGGGCTGCCAAAGCAGGATAAATGCA
CACCTGCCTGCTGGTCTGGGCTCCCTGCCTCGGGCTCTCACCTCCTCTCCTGCAGTCC
AGCTTTGTGCTCTGCCTCTGAGGAGACCATGGCCAGTATCTGAGTACCCTGCTGCTCCT
>EP73410 (+) Hs OSF; range -499 to 100.

TTTTAAATCTATCCAGAGTTGTGTTTTAATCAACAGCCTTTACCCCTTTGTGATTGTCAG
ACTCGACTCTACCTTTGTTTTCTGGTAAAAATAATAATAATAATCTTTCAGTTCTGA
TGTGAAGTGAATAACACCTAACATAATCTTGAGCACACAGACATTATACATTCTACTC
TGGAAAGGATTGCAGAATATCTCTTAAACTCAACAAAAGAATTTTTCTTAAAAACCTC
TAAGATACAAAGGAATAAACTGAGACTTAAACATGCAGTGAGTCAATTGTTTCATATGAT
TAAAAATAAGTACCTTCTTTATAATGAAAAGGAAAAGTAGCTCAATGTGTTCTTAAATA
TAACTAACCAAAAACAACTTAGCTGGCAATTTGAAGTTGCCGATGCTTCTGGAAAGAG
TTCAGACTCTCAGGTTGATGCAGTGTTCCCTCCCACTCTGACATGTATATAAATTCT
GAGCTCTCAAAGCCCACTGCCAGTTCTCTTCGGGGACTAACTGCAACGGAGAGACTCAA
GATGATTCCTTTTTTACCCATGTTTTCTCTACTATTGCTGCTTATTGTTAACCTATAAA
>EP73411 (+) Hs CDIPT; range -499 to 100.

TGCCTCCTTGAGGGCAGTGACCCCAAGCGCCAGACGCTTGAGAAGCTTGGGAGGATGACG
TAGGGTGGAGCCTGCGACCTAATCCTCCCATCACAAGGGGCACGCGAAAAGCAACCCATC
TGCAGGGCGCTCTGGAGCCTCTAGCCGCTAGAGCCTGCGAGAGCAAAGGCGGCTGGA
GACTTAGGGGGCGGGGAGTAAAGTGAGGACTGCACCAATCTCCTGGCCTCTTGGGGACG
CAAAGACTCAGGAGGAGGAATTTATCGCCTATCTTTGCCTCCAGGAAGTCATACCCTC
CACAAAAGGAAAGCAGAGATTTTATTCGGTCTTCTCTTTTACCCTTTCTTTTCCGTTT
CTAATTTGCTTGACGTTAATGGTTCTTCTCCTCCTCTCCTCCTCTGCGCTTTGGTACGA
GCCAAGGGAGAGGGGCGGAGGAGGAAAAGGGAAGGAAAGCCGACAGGCCTTAAAGGGGC
CGCAACTATTTTTTAAAGCCACTTTTCTCTCTCCTCAATTTTGCAACGACGGGCGCGGAG
GAGGAGGTTCCCGGAAGCCACGCGCAGCTGGAGCAGCGGCGACCGCAGCTGGAGGCCGG
>EP73412 (+) Hs POLD2; range -499 to 100.

TCAGGAAGAGTTACTTCTCCCGGCCAAGTTAGTGGGCCTTGGGCCTTCTTTCTGTTGGG
ATCCTCCTCGCTGTGCGCATCGCTACAAGTGGGCAGCTCTGCGGGGAAAGCTGGGACGC
TGGGGGCTTACCAAGGAGGCTGGCGGCCGACCACTGGGAGGTCTGGCGGGGTGACGACC
ACTGGGAGGTTTGGGCAGGGCCTGACGGGGTGACGCGGTGAGCCCACTGGAGGCCGACAC
CCCCCGTCAGCCCAACCCCTGCACGCGCGCGCCCAACCAAGACCCGCGGCGCCGGCCT
GCGAGCCCCCGCCCCGCTTGCCAGGAAACCGAGGGTGTGGCTCCGCGTTCTCTGGGCG
TCCCAGGGACTGGGCGCACAGTGGTCTGGCGGGATGAGGCGCCTGGTGACGGACGGGGCGA
GGAGGGCAGCGATTGGTGAGATTAGGCGATGGGCGGGGAAGCCGCGCGGGGATTAGCGAG
TTGCGGCGATGGGCGGGGCGAGGCGCGCGGGGATTGGCGGGATGCGGCGCGCGCGGGTG
AGTGGGGTCCAGGGAACGGGGTCACTGGGGGTGGCAGTTCCAGGCCGCGAGGCCGGGC
>EP73413 (+) Hs PPP5C; range -499 to 100.

TGGGTAAGTGAAGCCCTAGAGAGGAAGGGAAGATTGTTCAAGGTACACAGGTAGTCGA

CAATAGGGCTCGACGCCCGGGTCCGGCTCCGCGTAGGGCATGGCGCTGCCTTGCAAAACA
GCCACACCCGCCAGCGACATTCAACAACCCACCCCAACCTAGAGGACAGCGGGGAAAT
CCCACTTTCAGAACCGAGAACTTTTTACAGCCTTGGAACACGGTAACCTTTGGGAGGAGA
GGCCACACCAGGTCTGTTTCCCCGCGCGCCCTTCTCTATTCCCTATTGGCTCTCTCTA
CCAGGGGTACCGTCTGGGGAACCTCTGGTCACCTGTCTCCGCGCGCTCTGTGGCGAAA
GGGACCTGCGCAGGCGCGTGAAGGGCGCCTTCAGGGCCCGCGCTTTACGACACTTGTGCG
GCAGCGGCGGCGGCCACCCGCGCTCTTCGCGACGGTTCGGCCGGGTGCCGCTGGCGGC
CGTTGCCAGGGTAGGGGTGCTTTGCGGCATGGCGATGGCGGAGGGCGAGAGGACTGAGT
GTGCTGAGCCCCCGGGACGAACCCCGGCTGATGGAGCTCTGAAGCGGGCAGAGGAGC
>EP73414 (+) Hs SIAT4C; range -499 to 100.

TTTGGCTGGATTGATGATGGAGAGGCAGGCAGTGACCAGACCAAGAGACGCCTTGGATGG
TGGAGAATAGGTGACCTCTGTTGGGTAAAAGAGGACTCAAGCCCTCACACAGTGAGTTG
GCTAACTTTTTGTCTCAACAGTGGGCGGGGGTAGCTGTCTGCCTCCTGGAGCTGGCCCTT
CCTGGGTCAAATGCAGAAGGAGATGGTGAGAAGAACCACACAGAGAGGCTGGAGTAGG
CCAGCCTGGCTTGGGACCGAGTCCCAGTCCCTGGCTGGACCCTCGGTTTTCCCTTCCGT
GGCAGGGCTCACCTGGATCCTTAATGCCGCCCTTGAGGAGTTAGGAGGATCCTGGATGA
GAAAACCTCACCTCAGGATGATTGCCCCAGGGAGCAGCTTCTGCTTTCTGGTGGAAGGG
AGGGGCAGACAGTGGGTGTGCTGCTCCAGTGTCTAGGCAGGAGAGTTTGTGAAGCTGA
CCGGACACCTGTGGCTCTTATTTCTAGGTGGCCGAGGCAGCCGGGATGACAGCTCTCC
CCAGGAATCCTGCTGCCTGCTGAGAAACATGGTCAGCAAGTCCCGTGAGTGTATCCGAG
>EP73415 (+) Hs ARPC1A; range -499 to 100.

GTCGAGAAAGTTCTGGGGGGCTTCAGGGGCTTTCCACAGAGGGAGCACGGCGGGGGCGG
AGGCTCCCTGCAGGGAGCAGCGCTGAGGTAGACTGGCTCTGACCTTGGCTCTCTGAAGGG
AGAAAAACTTAATCGTTCTTCAGGTCCAAGAGCTCCAAGACCCCCAATCCTCAGTAACT
CATCTCTGACAAAAGACCTTGCGAAACTGCCAAAGCGCCACACTTCGGCTCGCGATTGT
GAGGAAATTGGTTGAGGAACGGAGTGGGACGCCCATGCCGCTTCGCCAGCACTTGCCAGG
CGTTCCGTGGGGCAGCATCTCCTCTGAAGGGCCGCCAGTACCACGCCAATGGAACGG
CGTACCCTCCTCCACTGCAGCCTGCCTAACCCCGACTGCGCGCCGAGCTGTGCGCATG
CGCGGACCGTCCGCGCGGTGCAACGCGCAGGCGCGGTGTCCACTTCGGGATCTGTGAG
CCGCTCCCTCTGGGCTTCCGTCTCCGCCCGCGCCGACGGAGCCTGTTGCGCTCGACTG
CCCAGAGTCCGGAATCCTCCGCTCCGAGCCCGTCCGGACTCCCCGATCCCAGGTAACG
>EP73416 (+) Hs SPTLC1; range -499 to 100.

CAACATGGAGAAACCCCTCTACTAAAAATACAAAATTAGCCAGGCGTGGTAGCCCCAC
GCCTGTAAATCCCGGCTACTCGGGAGGCTGGGGCAGGAGAATCGCTTGAACCCGGGAGGCG
GAGGTTGCGGTGAACCGAGATCACGCCATTGCACTACAGCCTGGGCAACAAAAGCGAAAC
TCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAATAAGTAAACGTATTGCAATCATTTTAACTCTCTGCGCC
CAGCTGATGACCAAGTGTAAGGCCCGTTTACTACTTTTCTCCATCCTGAATCCAGCAG
GGAGGGTAATAGGACACAAGGTAAACAATTCTTGAAAAACTGCGGCATCCCACCTGACC
CCGTCCAGCCTCCTGTCAACCAAGTGCAGAGTGCAGTAGGCGGTGCCAGCGCTCCGCC
GCCCGCCCTCTGCGGAGGTGATAACGACACTGAGCAGCGACGCGCACTTTTGGGACGCG
CTTGTGACCCGCTTCCGGAAGGAAGCGGCTAACTATGGCGACCGCCACGGAGCAGTGGG
TTCTGGTGGAGATGGTACAGGCGCTTTACGAGGTGGGCTCCGCGCCATTAGCGGTCCGCG
>EP73417 (+) Hs ANP32B; range -499 to 100.

GCTTCTTACATCTCGCGCTCCGCGGGCGTCCGGCCGCCCCCGTGAGCCTCCCCGGATG
GACTGGGTTTTAGGGACCCCCCGAGCCGGAAGTTCACCAACCTTCCCGCG
AACCTCCCAGCCCGGGCCGAAGCCAGTCCGGGCGCGACGAGTGGGGCCGGAGGTAG
AAGGAGTCTCAGCGCGGGGGGCGGGGGGCGGGGAAGCCCCCACCCACGAGAAAGG
TCTTACATCAGCCGCCACAGTGAATCGGAGAGAGGGAGGAAGTCGTCCTCTATTGCG
GCTGCGCCTTTCCCGAGCTCCGCCCGCCCGCGGAGTCTCCCGCCCCGCTTGGTG
CAGCGCGGGCCCGGAGCCGAGCGCCGCGCGGGGCGAGTGGAGCCGAGCAGCTGCC
GCGCCGCGTCCGCGGTTTAAAGCGAGTGCAGGCCGCGGGCGGGGGCGGCGGTAGTGAGCC
CAGCGCTGCGCTCCAGCCCCCTTTCCCTCCATGTTTTCTCTCCGCTCCCGTGAGTAACT
TGGCTCCGGGGGCTCCGCTCGCTGCCCGACGCCGCCGCCACCCAGGACCGCGCCGCC
>EP73418 (+) Hs THY1; range -499 to 100.

CCCAACCAGCTTCTTTTCAAGAAAGACTGGAATATTCAAAACTTCTACTGGAGGCTCCG
GAGGAGGTGGGCTCCAGCTGAAAAGGAAATGTGGAGGCGTGGGCGCTCCCGGCTGCATC
CTGCACCTCTTACACTTTGGTTTTCCACAGACTCCTGAAGAATAGGTCAGAAGAAAGGG
TTAAAGCCTTAAAGGGGAACAAACATTGCGGGGCTCAGGGAGGAGGATAATGTTCTTTG
GGTGCCGCACCTGATCCCCGGGGTCCCGAACCTCCCGTCCCTGGCCAGGCCTGCCAG
CCACAGGGTGAGGGCCCCCTTCCGCCGAACCTGCCACTCTCACACCAATGCGGGACCGC
CTTCTCTTCTTCCCCACCCCCACCCACCTGCCGTCTTCTCCCAATCTCCGCC
TCTGATTGGCTGAGCCCCGGCTCCCGCTCCCGCTCTCTCCATCCCCGGTGAAAAGT
CGGGCTCCGAGCTGGGTGCAGCAACCGAGGCGGCGCGCTCTGGAGGAGGCTGCAGCA
GCGGAAGACCCAGTCCAGGTGGGAACTGGAGCCGGTGGGACCTGGGGCTCGGGGACCGC
>EP73419 (+) Hs TIMM23; range -499 to 100.

TGGGGTCGAGGACGCGCCTCTGCCTGCTGGGAAAGCTCCGGGCGTCCGAAGCAGCCGGCG
AAGTTGTAGCGCGCCCCAGCGGGGTGCTTGGTGACAGGTTTACAGCCGGGGCCCCGAT
TCATGCTGGGACCAGCAGCGCACTGTCCCCGGGCCGGCCCCGGGCGGAGAGCCTCATTTC
ACTAACCTGAGAGAGATGGACTGCGCGTCTTCTCAGCGCCTGCCTGCACCATTCCCTCT
CTGCCGCTGCCTGCTTCTGCAATTGCTGATCCGCCGGCCTCCCAAGTCAGGCCGTAAACA
CTCGCCTGCTTTCTCTTCCACTGGCACCCACCTGCCTCAATGCGCCGCTTTGATTCTG
GGATTCTGTTCACTTTCCACCACCGGAAAGCTGCCGTACGGCGCTTCCAGCTTCCGGGGC
GCACATTGCCGCAAAGCGGAAGTGTGGCGCTTAACGGGAACCGCGCCCGGAAGGTCAGC
GTGTGAAGTAGGCGCTGGCAACGCGGGGTACCCGCTGTTATTGAGGAGTAACGGCCAG
CGGACCACCCAGGCTTGAGGCAGCGGGGAACCACTCGGTTTGCTGCGATACCATGGAA
>EP73420 (+) Hs TIMM44; range -499 to 100.

GAGCGACTCACTTGCTGGTCTCTCAGCCATTGTCAATCAATCAGTCATTGCAGGGGCAGC
CATAGACAATTACTCTGGAGCTGGTCCGCCGGTCAATCAGAATCCAATCGAATCCGTCCT
TGTGGTCGGTGGATCCACGTGCCTGTACCACCTGCCACCAGCGCCGGCGCGTTCGTAG
CCGAATCACCGCAAGTGACGGAATACACGCCCCTGGGCTCCGCCCTCGTAGTCGCGCC
CAATCACAGATCTGACCTCCAGGAGTGCCCTCCCCGGGCCACATCCAGTCACGGGCC
CCGTCCTTCCAAAACACTGCCCTACAGAGGTCAAGCTCTCTAGGCATTCCCTACCTTT
TAATGCCCGCCCTATGACGGACCCAATCGGAGGGCTCTCCTACCCGAAACCCGCTCC
TGGAGCGGCTTTTCTCAGGCTTGCGCGGCTCTAGGCCGAAGCGGCGGATGACGCAACCGG
GCCGCGCGCGAGAAGGTACACGATTCTCCAACATGGCGGCGGCGGCCCTGCGGAGTGG
CTGGTGCCGCTGTCCACGGGTGAGCGGCGGTGCGGCGCTGGCAGGGCGAGCTTAGGGGTC
>EP73421 (+) Hs USP16; range -499 to 100.

TGGTGCCGTGCGCCTGTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGAAGAATGCACTCCA
GCCTGGGCGACAGAGGGATATTCCGTCTCAAACAAACAAAAATCACTCGCTGCGTTTTT
TATTCTGACATGGTGCAGGAAGGTAAATTCAAGACAACCTTAGGTACTCAGTTTTAGAAGT
CGACAGGACAGAATTACGGAACAAATTTAAGCGTTCCTCTTTAGCTCCAAATATAAT
GTGTTCCAGAAAAGTAACCATCTAGGAAACTCCAAGGCTCAGACCACCACCGATGCCCA
CACTTCAGGAGCATTTATATAACTTCGTGGTTATGTGAGAGACGAGAAAACCCATTGACA
ACCAAACCCCTAAACCCGAACATCCGGCGCAAGCCGCACGCAGGCGCAGATTTACTAGCG
TCAGAGCCGATGGTCCCGGGAGGTGGGGTGGGGTGGTGGTGGCCTAGCCACTTCCCAT
ATGCCGCGTTCGGGAAGTTATTGCTTTCCAGGGGTCACTCTGGCTTCGACTCCGTGCTC
TCAATTCGTACACGAGGAGAGACGGAGCTGGCTGCCAGCCCAAAGGCCCATGAGGGGA
>EP73422 (+) Hs TXNIP; range -499 to 100.

TGGGATTTTACACACTTGCTATTTATGAGCCAGGAATAACGACAGGCTCTAAAGTAACT
GCACTGGCTAAGACTAGGCATGAAATTCCTCATAAGCACATTTTCTTTTACCTCAAAA
CACCGCTCTCAGACCAGAAACGTCCACACCCGCCCTCCGATGGCCTGTGCGCCTGGCTAG
GTTTTAGGGTCAGTGGGATCTCCTTCCACTGGACCCGGGAGAAGACGCTCAACAGCCCC
CTCCTTCCCCTCCTTCTCCTTCTCCTTCCCCCTCCCTGCGCCGCTCCAGAGCG
CAACAACCATTTTCCAGCCAGGAGCACACCGTGTCCACGCGCCACAGCGATCTCACTGA
TTGGTCGGGCTCCTGGTAAACAAGGACCGGCAGCCAATGGGAGGGATGTGCACGAGGGC
AGCACGAGCCTCCGGGCCAGCGCTCGCGTGGCTCTTCTGGCCCGGGCTACTATATAGAGA
CGTTTCCGCCTCCTGCTTGAAACTAACCCCTCTTTTCTCAAAGGAGTGCTTGTGGAGA
TCGGATCTTTTCTCAGCAATTGGGGGAAAGAAGGCTTTTTCTCTGACTTCGCTTAGTGT
>EP73423 (+) Hs CCT8; range -499 to 100.

TTACTCTTAGTGACGACTTTAATTATCGTGCGCATTCACAGCGCTTCCTATGGTGCCCAA
CACAGAGCGGACGCCTAGAGACAATTTGGGGGATGGGGCAGATGCTCTGCCTCGGGAAA
AAAAAAGCACACCTGCCCTGACGTTGGTGGCTGGGTCTGGAAGATACGTGGAAATTAAGC
TAAGGATGTGTGGCTTCCAGATCAAAAACCGCAAAAATCTAACGCCGTGACTACTGACTA
CGGTACAGAGCACAGACTGGAGCAACCTCACGGCCTGGGCTGTCTGCGCGTGCCTGA
GCCAGAAACCCGAGGGGCTCCCTGGGCCCGCCTATCGATCGACCCGATCGGGGATCGTC
AGCTTGTTCTGGCCACAGAGTTGCTCTTCTCGCGATGCTTCAGACCTGGCGGCAGGGA
AAGGGTGGGCTAATTGGAGAGCCAGGAAGAGCGTGAGGCGGCCCCACGCTGCTTTCCAG
AAGGCTGTGCGTGCTCCTCGCTTCTCCGCGGTCTTCCGAGCGGTGCGTGAAGTCTTC
CTGCAGGCTGGCCATGGCGCTTACGTTCCCAAGGCTCCGGGCTTTGCCCAGATGCTCAA
>EP73424 (+) Hs PROL3; range -499 to 100.

TCATCATATTTTCAATTAATTAATACTCTCAAGTTAATAACAACAGGGACCACATGATTT
TTAAAACACGGTTGTTCTCAGTCTTCACTGACAAAAGGGAACCTTCTATAGAAAATACA
AAAGATGGCCCATTAATAAAATAGAAAATACAAAAGATGGCCCATTAATAATTACTCGGG
ATAGAAAAAGTTGGTGCTTTTCTTTAAATAAAGAGGAAATGGTGCGCCACAGGCCCA
GATTGTTTCCCTGAAGTGAGAGGATATTATTTGTTGAATCTGTTTCCCAAGGAAACAACA
AATATTGAACAGGTCAATGCTTTTCAAGATGAGACCAAAAAATGCGGAAAAAGACTGC
CAAATTGGCAAGAACAACCTTCTATCTTTGTTTGAAGAGCATCAGCCAGAAAGTTATTT
TATTTCCAAGTAGCCTTTCTTTTACTGCCAACAGAAATCTTTTGAATATATAAGAACTG
AAGTTTCTGTCTTTTACCTTTATTTTCTGTCTTTCAACTGGCAAGAGTCATTTTGA
CCAGCAGGTTAATCAACTCTAAGACAGATCCTCACGCAAAGGTATGTACCTGGAAATATT

>EP73425 (+) Hs PC4; range -499 to 100.

ACTTCAATACAGGAATAAGGAGTACTCCAAAGATTTCTTGCACTTTCTGGAATTAAACGC
TGTGACTTTAGCTTCTCTTCTTTGGATTTTAGGAGGCAGAGGCATGTATTGAGGTGGGTG
AAGTGGGGTAGGAAGACCATTCTGGGAAAATGGCCAGAGTATTGATCTTTTTCATTAT
GACCCCTTCGCTTCATTAGAGTAAACATTTATTGAACAAACGCAAAGCTTGGCGCTTGTC
ACTCATGTTTTATTGGCGTTTTCTTTTTTTTAAATTTTTTTTAAAGCTATCTCTACAGG
AAGGATATTAGCTCTTTTCATTCTCTCAAGGGTCAGATGTAATCTTCCAACATCTGACTTT
CGCGTCACCCATTTAGGAAGAGACGCGGTCCCTTTAAGGCCCTGGAAAGGGTCTAAGTGT
TGGTTTCTGTGGGGAGGCCACGCCCCATCACGTGACCGCAGCCCCAGCGCGGGGGCCG
GCGTCTCCTGGCTGCCGTCACTTCCGGTTCTCTGTCAAGTCGCGAGCGAACGACCAAGAGG
GTGTTGACTGCTAGAGCCGAGCGAAGCGTGAGTGCGCGGGACCCCTACCCCTACTCCT

>EP73426 (+) Hs PSMC4; range -499 to 100.

AAGCCCAGTATGAAATGTCACCTTCAGGGGCAGCTCGGATCTTCCCACGCCCCGCGGGCG
CACAATCTTTGGATCAGCGCCACGTGGAGACCTTACCCGCCCGTACGATCAATCCCTTCT
GTGGAACCCAGCTCAAGGACCCTCCAGCCAGACACTAGAAAGCGAAGAGCAGTTGGCCG
CCAGACTGTCCGTGCCAGAGCTCTGCGAACTTACTCCGTTGAAAGAGCAACGGGGCTGCG
CCACCTCCCGGAGAGAACCCCAAGCTCCACGGCAGGGCGAGATGGCGCCACCGCGTGA
TACTGCGCACGCCCCACAGTCCCGTCCCGCCTCGCGCCTGCGGGTACGGACAGCGCATG
AGCTTATGTTGAGGGCGGAGCCAGACCAGCCCTTCGTCTATCTGCCCCTCCAGCACC
TCTCAGCCGTAACCTTAACTACACTTCCCAGAAGCCTCCTCAGCCAGGGACTTCCGTTGT
CGTCAGCGGAAGCGGTGACAGATCATCCAGGCCACACAGAGGCCGGCTTGGTCACTATG
GAGGAGATAGGCATCTTGGTGGAGAAGGCTCAGGTACAGTGGGGACTTGGGCTTTTTAGT

>EP73427 (+) Hs REG1B; range -499 to 100.

AGTATGAAAAGGACTAATACACCTTGCCTTCTGAAGTAGGTCTTGAGAGGTTCTGAACC
TGAAAGGGAATGGAGAAATGACTTAAAGCCACCAGCTAATTGGGCTTAATCATTTGGACT
CAGTTGACTCTTCCCTACCCCTACCCATGCCTAAACCAAAGAAAGGATCATCCACATT
TACCTAGCACAAAGAAATCTACTTCTGTCTTTCTAGGACTGCTAAAGGCCATGGGAA
CTGGACACCTGGATGCTGCAGAGGAAGAGCAAAGCTCAACATCAACTTGGACAGTTTGCC
AACCTGTTTGTGGTAAGTTGATGTCAATTTGTGACCACTCCTAATGTGTGCCAGGAATAAG
CTATTCCTGATGCCAGAATCTTACTGTCAAGTGCCTCTGTAGGCCCTTCTGATCCTTAC
TCCTTGCTCCACCCATTGTTTATATCATGTAGTTCTCTCAGACCCTGATATAAAGCTC
CTACTCTGTCTGACCTGACAAGCCACCTCAAGTGGACAAGGCACCTACCAACAGGTAAG
GGGCATTACAGGAGAAGAGCATGTCTAACGTGGGATTTTCTTTTTCATTTTGAGGTAGA

>EP73428 (+) Hs SARS; range -499 to 100.

GGTAAAGTGACAATTTGGTTTATCCATAATCAGATTAATAAAGGTATACCATTTCTAAG
GCACGAGAGCAGGAATCTTAAGCTGAGGTAGCCCTGGGACTAAATATGCCATCCTCTTGT
ATCAAGATGGAGAAGACGGCCGAGGTTTCAAGGAAAGAGCCAGTGGAAGAACCAACCTA
GTGAGAGGAAAACGGGCACCTGGTGAAGGCCCCGGCCTCTAAGCTAGGGATGAGGGGACA
GGCCTCTGCCTAGCCTGAGACAGGAGTAGGAACTGAGGCATTACACTTTTATGTGGCG
ATCACAGTTCTGCAGACTGTAGCAGAGCTGGGGAGCAGGAACCAGAGGTATAGTCCAC
GCCACCCACTCTCCCTCCCTCCCTCCGCGGCCCCGCTCCAACCAGCCGCTTCCGGT
CGCGGGGAGGGTTCGCTGCGGGCTCCAGCTGCGCCTGCGCAGGAAGGGCGGGTCAGCGCG
CCGGCGCAGTGCGGCGGTACAGGCTGAGTGTGCGGCGCGATCCTTGCTTCCCTGAGCG
TTGGCCCCGGGAGGAAAGAAGATGGTGTGATCTGGATTTGTTTGGGTGGATAAAGGAG

>EP73429 (+) Hs SLC2A1; range -499 to 100.

TTTCCATGCAGTAGACGCTGTTCTAAACACTTTACAAATATTAACACTTGGTCTTTCT
ACAACCCTACGAGGTGGTACTGTTACTATCCCTAGTGCACCGAAGTCACCCAGCGGCCGA
GTGAGAATCCAGTCCAGCTTTCCACCCGCTACTCCGCGCATCCAGCTTGCCTTACAGC
CGGGTACCGGCTCCACCATTTTGTAGAGAAGGCCGCGGAGGCTCAGAGAGGTGCGCACA
CTTGCCCTGAGTCAACACAGCGAATGCCCTCCGCGGTCCCAACGAGAGAGAACGAGCCGA
TCGGCAGCCTGAGCGAGGCAGTGTTAGGGGGGGCCCCGGCCCCGGCCACTCCCCTCACC
CCCTCCCCGAGAGCGCGCCAGGACAGGCTGGGCCCCAGGCCCGCCCCGAGGTCTG
CCCACACACCCCTGACACACCGGCGTCCGAGCCAATGGCCGGGTCTATAAACGCTAC
GGTCCGCGCGCTCTCTGGCAAGAGGCAAGAGGTAGCAACAGCGAGCGTGCCGGTCTGAG
TCGCGGGTCCCCGAGTGAGCACGCCAGGGAGCAGGAGACCAAACGACGGGGTTCGGAGTC

>EP73430 (+) Hs TFPI2; range -499 to 100.

TATATTATAAGCCTGTATTAATGTAAATTAGAACTCGATTGAAATCTGTGTGTATAAAT
ATAAATATACACTTATTTACATTTCTAATCTAATCTGAAGGTCCATTGCAACGAATCCCG
CTCCGCTCTGACCCAAGAAGTCCGCACTTTCTCTCCACAGCCTTTCAAATACCTGAACT
TCATGCCTTCAAGAGGTGGATTCCGGCTTCTTTACAGCGCAATCACTAGCAGGTCAATTC
CGTCTAGCTTGAGATTTCCCATTTACTGACACAAACGCTCCCTCAGGGCGTCCCCGTCTG
GACTACAGGAGAAAGTTTGGGAGGCAGGTTCAACTTTTCAACTTGGCGGGGAATTCCTCT
CCCTCTTACACAGTTTGCAGCGCGGGGGCGGGGGTGACAGTCCCCGTGCATGAATCAG
CCACCCCTCAGGCTCCGCCCCGGCGGGGGTGGCCGGACGCTCGCCCCGCATAAAGCGGG
CACCCGGGCCCTGGAGCAGAAAGCCGCGCACCTCTCCCGCCAGGCGCTTTCTCGGAC

GCCTTGCCAGCGGGCCGCCGACCCCTGCACCATGGACCCCGCTCGCCCCCTGGGGCT
>EP73431 (+) Hs BAK1; range -499 to 100.

TTAGTAGAGACGGGTTTCCACCATGTTAGCCAGAATGGTCTCGATCTCTTGACCTCGTGA
TCTGCCTGCCTCAGCCTCCCAAGGTGCTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGCCTGGCC
CAGAACTGATGATTAACCCAGCTGAGCCTCTGTTTCTGAATGGGTATTGTCAACAGCA
CTCACTTACAAGAGTTGCTGAGAAGATCCAATGAGACAAATAGTTGCTAAAGTGCCAGGC
ATGCAGCAGTGCTTAAGAACTTCTCACCTGGGTTTTTTATTGGTATTGATTGATGTAG
AGGTGGGGGAGAAGATCAAAGACAAGGATTGAGAATCAGGGATGGGAAAAGCAGTGGGCC
ACTGACAGCCGCTGCTGCTGGGAGGTGGGGTGGGAAAAGTGGGCGGGACATGCTCC
TGGGCCTGGCCACCCAGATCACCTACAGGCTGTGCGCTGTGCGTCTGCATCCGGTGG
CCACAGAGCAACTTCTCTAGAGGGAGCTGATTGGAGCCGGGTGCCGCTGGCACCTCTAT
GATCACTGGAGTCTCGCGGTCCCTCGGGCTGCACAGGGACAAGTAAAGGCTACATCCAG
>EP73432 (+) Hs BTF3; range -499 to 100.

CACACCACCTAACCTTGGAAGGCCAACTAACTTCACTATTTTTGACAAAATGCTTTGGT
AATGGCTCATTCGGGCCGAGAGGGAAATTTGCAATTCTCAACCCACACCTCCAGCAAG
GGGAGAGCTGCTTGAGTGGTGAGCACAAGCTGGGCACCTCCGGCGTCTCCAGGAAACGTG
AATAGGCCCTTCTTCGGAGGGCAGAGAACTTCAAGATCAGGGCCCAATGGAGACTGAGC
GGACTTAACCTTAAGTGTGCACAGGACCGCGCTCTCCGACCCCTTTGTGGCCTCTCCAG
AGGTACGGGCTGCGCCCCAAGCCAGCAGTCTCTCGTAGGGCCTACAGCCGGCAGCCGCTG
GAGCAGGAGGAGGAGAATAGGGACTCGCTGGACCATCACAAACGCTGTGCGCGTGGCGCA
GGGAGGAACCGAGTTGCGGGCGAAGTCAGTTTCTGACTCTTGAAGGAAGTGGCCTTGTG
TCACTTCCGGCTCCCTTTAGCTGCCATCTTGCCTCCCCGCGTGTGTGCGCTAATCTCA
GGTGGTCCACCCGAGACCCCTTGAGCACCAACCTAGTCCCCCGCGCGGCCCTTATTCG
>EP73433 (+) Hs ATF4; range -499 to 100.

CCCGGGATCCCTCTCCAGCAGCCGCCATCTAGGGCCCTGAGCCAATAAGAGCTCGAGA
TATATATGATTACCGGGCTTGGGCCAATCACCTTGACGCGCGCTCTTCGCCAGCACCTC
GCGCGATAACCTGGCGTCTCGGCCCTTCACAATAAAAACTCTTCGCCGGAACGACCTT
TCCCCGCCACTGCGCTGACACCGGAAGCGAGGCGTGTCTGGGAGATCACTCCGCGCTCC
GGCGGCGAAGGAAAGAACGGACTCTGATCATAGAAGCCTAGTAAAGTAGTACACCTCTCT
CCTTTCTGTGAGGCCATAAGAACAACTCCTTTCTCGTCACAGCTACGCCCTGGGCATAA
ACGGTTGGGGCGTCAAAGGGAGGGAGGGAGGGAGCGGGCGGGAGGAGACGGTCACGTGG
TCGCGGCGGAAGGATGCGTCTGTGCTGCGTCCCCATAGAGACGAAGTCTATAAAGGGCCG
GCGGGCGGCCACGGCAGCCATTTCTACTTTGCCCCCCACAGATGTAGTTTTCTCTGCGC
GTGTGCGTTTTTCCCTCCTCCCGCCTCAGGGTCCACGGCCACCATGGCGTATTAGGGGC
>EP73434 (+) Hs CTGF; range -499 to 100.

GAGTTTCAAGAGCCTATAGCCTCTAAAACGCAATCATTGCTAAGGGTTGGGGGGGAGAA
ACCTTTTTCGAATTTTTTAGGAATTCCTGCTGTTTGCCTCTTCAGCTACCTACTTCTAAA
AAGGATGTATGTCAGTGGACAGAACAGGGCAAATTTATCGAAAAAGAAATAAGAAATAA
TTGCCAGTGTGTTTATAAATGATATGAATCAGGAGTGGTGCAGAGGATAGGGAAAAAA
AAATTTCTATTTGGTGTGGAATACTGCGCTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTCTGTG
AGCTGGAGTGTGCCAGTTTTTTCAGACGGAGGAATGCTGAGTGTCAAGGGGTGAGGATCA
ATCCGGTGTGAGTTGATGAGGCAGGAAGGTGGGGAGGAATGCGAGGAATGTCCCTGTTTG
TGTAGGACTCCATTAGCTCATTGGCGAGCCGCGGCCGCCGAGCGTATAAAGCCTCG
GGCCGCCCGCCCAAACTCACACAACAACTCTTCCCCGCTGAGAGGAGACAGCCAGTGCG
ACTCCACCTCCAGCTCGACGGCAGCCGCCCGGCCGACAGCCCGAGACGACAGCCCGG
>EP73435 (+) Hs MDH1; range -499 to 100.

TTCCCCCGCCCTCCAGAGTGCAATCGTTTTTAAAGATTTTGTTCGGGTGATCC
AGCTTTACGCAGCGGAAGGTCTTTTACCTCCACGTTTACCCTCATGGGAGGATGCAGT
CTCAGTCACGCGCGTGGGGTGATGTCGCTAAGGGGTGATTCTCCCTCCCTAGAGTTAC
ACACGCTATCTCTCCCGCAATTGCGGGGTCCATCAGGCAGGTCTTTCTCTCTGAGCC
CAAACCATCCGTTTGTGTGCTCCTCAATCACAGGGGCTCATCTCAGGGACTACTTTG
CAATCGGCGCAGAGCGCAGTGAGAAGAGCTTGAAAAAACCTCTGGTATCGGGAAGTGTA
GTTCAACACTTGAAGGAAATGCTTTGGAGATTGCGCCACAACAGGGCAGCGTAACTAC
AGTTCCAGAGAGCGCGCGTGGGAGCGGAGCCTTTTCTCGCTAACACCGCTCGCCCTC
TCCGAGTCAGTTCCGCGGTAGAGGTGACCTGACTCTCTGAGGCTCATTTTGCAGTTGTTG
AAATTGTCCCGCAGTTTTCAATCATGGTGTGAGTGTGGGCCCCGGGTCTCTGCCACCTCT
>EP73436 (+) Hs MFAP1; range -499 to 100.

AGGCACCTCGGGAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGGTCACTGGCCTAAATCAGCACCACT
GCCCTGTGAAACCAATACCGCACCAACAGCCACCTGGCCTTATGAACTAAGCTAATCG
GATACTACTGGCAAGATTTTTATTCCATCAAACTCTACTTCTTCTGAGCTTTCAACAAGC
CATTCAAACAGTAACCTACTGTGCGCTGAGTTTCTTATTCACTATACCGTTCTTGGCTTC
AAACCAAGCTAACACGTAAATCTTTATTCGAACCTTCTCACCGCAGAGTCCTAACAG
CAAAGCCCAAAGGAAGCAAAATTTCCCGCCAAAAGCTGCTTCCAAATCTGCGACGTAGA
GGACATGCGGGCAGCCAATGAGCATGCGCAGAAACCGACTCGACTTCTAGCTGTGGGCG
CCCAAACGTCTCCACCATCCCAATCTCTCGTACGTATTTCCGGTTTATCTAGCTC

AGCCGTAAGTAGTTTCTCTATCAGTCGCGCAGCTGTGTTTCGCGGACTCAGGTGGAAGGAA
TTTCTTCTCTTCTGTTGACGTTGCTGGTGTCTACTGTTTGGAATTAGTCAAGTTTCGGGAA
>EP73437 (+) Hs MYL9; range -499 to 100.

CTGGCGGGCGACCGCTGATGTGGACAGAGCGAGTCACCGGGCGTAGGGGTCCCTGGGAGC
CCCCCACCCACCGCTCTGCCCTCCCCACGTCGAGAGCCGTTGCCCGTCAGGGGAAGCT
GCACTCCACGCCCCATACAAGTGGGAGGCCTCTGGGGAAGCGGCCCTGGACATTCCGTT
TGCTCTCTGGAGGGGAAGGGGTGGCCAGAGCGAACCCCCACACCCCTCTCCATTGC
CTGCTCACCCCATCACCTCCCCTCCCTACAAGGCCCTCTGTGCAGCCCGGGCTGGCACAG
CAAGGAAGGGGGGCTCACCCAGAGCGCCCCGCCTGCCAGCCCGTGGGTGAGGCCAAA
TAAGGCCGGACGGCAGCCGAGGGCCCCGACCCCGCCCGCGGCCCGCCCGCGCACAT
TCTTCTGCCTTGTAAAGGCCCGGCCGACGCCCCCGCCCGCCTGGAGTCCAGACCCGAC
GGCCGGCCAGTTCCACGCACCCAGCGAGCCCAAGCGCCTTCTCCGCACCAGGTGGGATC
CGGGGCCCGGGGGTCTTGAGGACAGGCCTAACGGCCAGGGCTGGAGATGAGAGGTGGC
>EP73438 (+) Hs NFE2L2; range -499 to 100.

CCACCCCGGCTGGCGCCATTCTCGGGCGGTAAAGTGAGATAAAAGCAGGGCAAGGTTCTG
CAACTCCAAATCAGGGAGGCGCAGCTCTACACCAACGCCTTTCGGGGCTCCGGGTGTG
TTTGTTCCTCAACTGTTTAAACTGTTTCAAAGCGTCCGAACCTCCAGCGACCTTCGAAACAA
CTCTTTATCTCGCGGGCGAGAGCGCTGCCCTTATTTGCGGGGAGGGCAAACTGAACGCC
GGCACCAGGGGAGCTAACGGAGACCTCCTCTAGGTCCCCCGCCTGCTGGGACCCAGCTGG
CAGTCCCTTCCCGCCCCGGACCGCAGCTTCTTGCGTCAGCCCCGGCGCGGGTGGGGGA
TTTTCGGAAGCTCAGCCCGCGCGGCCGGCGGGGAAGGAAGGGCCCGGACTCTTGCCCCG
CCCTTGTGGGGCGGGAGGCGGAGCGGGGAGGGGCCCGCGCGTGTAGCCGATTACCGA
GTGCCGGGGAGCCCGAGGAGCGCCGACGCGAGCCGCCACCGCCGCCGCCGCCACCA
GAGCCGCCCTGTCCGCGCCGCGCCTCGGCAGCCGGAACAGGGCCGCCGTGGGGAGCCCC
>EP73439 (+) Hs NNMT; range -499 to 100.

TTATCCAGGCTTTTAAATTAATCTTTCCAGACTTCATCTGAGACTCCTTCTTCAGCCAA
CATTCTTAGCCCTGAATACATTTCTATCTCTCATCTTCCCTTCTTTTTTTCTTTCT
TTTACATGTTTAAATTTAAACCATTCTTCGTGACCCCTTTCTTGGGAGATTATGGCAA
GAACGAGAAGAATGATGGTGCTTGTAGGGGATGTCTGTCTCTGAACCTTGGGGTCC
TATGCATTAAATAATTTTCTGACGAGCTCAAGTGCTCCCTCTGGTCTACAATCCCTGGC
GGCTGGCCTTCATCCCTTGGGCAAGCATTGCATACAGCTCATGGCCCTCCCTCTACCATA
CCCTCCACCCCGTTCGCCTAAGCTCCCTTCTCCGGGAATTTATCATTTCCTAGAACAG
CCAGAACATTTGTGCTCTATTTCTCTGTTAGTGTTTAACCAACCATCTGTTCTAAAAGAA
GGGCTGAACCTGATGGAAGGAATGCTGTTAGCCTGAGACTCAGGAAGACAACCTTCTGCAGG
GTCACTCCCTGGCTTCTGGAGGAAAGAGAAGGAGGGCAGTGCTCCAGTGGTACAGAAGTG
>EP73440 (+) Hs PPIE; range -499 to 100.

TAATTTTTCATTTTATAGTAGAGACGGGGTTTACCATGTTGGCCAGGCTGCTCTCGAAC
TCCTGACCTCAGGTGATCCGCCCCGCTCAGCTCCCAAAGTGCTGGGGCTACAGGCATGA
GCCACCACGCCCGGCAAGAAAATATAGTTTTTTTATTTTTTCCAACATTTTCAAAGGT
AAAATTCTATTCTTAGCTCCCAGGTTGTCCAAAACAGACGCGCAGGATGGCCAAGCACCA
GAGTTTATCGTTTGCCCATATAATCGGGTTGATTGCGCCAAGGTTTCCCTCCCCCAACA
CGGTGCGCACTGGGAAGCGCGAGGACCACGTCCTTGTTTACCCTGCGCACCTCACAA
GGCGCCAGTGTCATCCGGGTAGCGGGATGCCGTTGGACCAACGCGAGGGTGGGCGGGGT
CTAAGAGCTAAGCGTTGGGGGCGGGGCGGGACAGTGGGGAAGAGGACGGGTGAGTGCTG
GCTTCCGGCGGAAAAGCGCGCGAGCAAGATGGCCACCACCAAGCGCGTCTGTACGTGGG
TGAGCAGGAGGGGTGCTAGCGGAGTCTGAGTGAACGCGACCCCCAAGGGTCGGGGCGT
>EP73441 (+) Hs NDRG1; range -499 to 100.

GCCGAGCTGGTGAGACCTACAGGAAGTGAAGGGAGTCGTCAGGGCGTGCGCAACGAGA
CTCTTAGAAGAACTCTGAGGCAGAGATGGGGGGCCTCCGCCATACGGAGACACAAGGA
AGTCCACATGCACACGACGACGCGCAGCATGAACACGCAACAAGCACACAACGCCTCCT
CCGGGCAGGGCACACGCGCCCGCTGCACAGGCCGAGGCCCTGGACTCGGAGGGGACTGCA
GAGCCGACCCACAACCCGGGCCCCGATGCCCTCCCGGCCGCGCCCTACGACTGCTTGC
GCAACAGGCGGCGGCTCCAGTGGGCGCCCGCCGCGCGTCCCGGAGCCAGCCAGCCCG
GCGCGCCCGGGAGGAGGGAGCAGGGAGCGGGGAAGGGGTGTGTCCCGGCTGCGTGTGGG
ACTGCGAGGGTCTGGGAGGGGCGAGGCGCGGGGCGGGGCCGCGGCCCTATAAAGTCGC
CCTCCGCCCGGACGTAAACAAACCTCGCTGGCTCCAGCTGGTGTGAAGCTCGTCACT
TCACCATCCGCCCTCGGCTTCCGCGGGGCGTGGGCCGCCAGCCTCGGCACCGTCTTTT
>EP73442 (+) Hs SKB1; range -499 to 100.

GGATCTGATAATGAAAGCGTGAAGATAATAAAGAAGCATCAAGCTGCGAAAGGAAAGGAA
AATTACAAAATGCTCACGCAGCGAAGCTGCGAGGAACCCACCGAGCCAGCCAGGAGTCG
AACCTGGAATCTTCTGATCCGTAGTCAGACGCGTTATCCATTGCGCCACTGGCCCTGAGA
TGGCACTGTTTCTCTCCGTGATGGTACTTCAAGGTTATACTGCAGGGTTTCATGGGCGGT
GTAGTCTCTCAACGGCGTTCTTCAAGATAAGCTAAGCTTCTGGGAGATTGAAGTTCTGCA
GGAACCAGACCCTGAGATTGGTGGATCCATGCCGTACGCCACTGTGCAGCCCGCGGATTG
GCAGGAAAAGCCACTCCCCATCCCTCCTGTTTCGGGAGCTGTGGCAGACGCTCTGTTGTT

AAGGCGACTCGTCCCGCTTCTGGGGCACTAGTTTACTTTGTGATTGGCTACTAGTATC
AAGGAATCCCGCGTGGACAGCGCAGGAGAAAGATGGCGGCGATGGCGGTCGGGGGTGC
TGGTGGGAGCCGCTGTCCAGCGGGAGGGACCTGAATTGCGTCCCCGAAATAGCTGACAC
>EP73443 (+) Hs CCT3; range -499 to 100.
AAGCCGGCAGGTCTTTCCCCCATGTGCTGGCTGGAGTCCCGCTCTCTAGTCCACCTGTT
GCTAAGGCTAGACAAAAGAGTGGGAAGTGAAGCCTTTCTTAGCCTTACGGTCCGAT
AGGAGCCGAGTGCATAACACAGTTTAACGACCTCACCTGCGGTGTTAACCGAAAGCCGC
AACCCAGCACCCAACCTAGAGTTGACACACATGCGTAGTGGTGTGCTGGCCAACTGCC
AGAGCCTTGGCGCTGCGCCGACGTTTCGCGCTGCACGCGGCCGGGAGCGGCCACCCTACT
GGCAAGCGCCTGTGCCCTCCAGTGCCTTCGTGCTGCGCTCTCTGTCTAACTTGTCTGG
CCGTTCTTGCGTAGGGGGCGGGACTAAGGCTGTCAATTGGTCTGTTTTTGTGCCGATCAA
TGAGATGGGTGCGGTGATTGGCGACTACCTTGAGAGTAGCGGGTTGAGGTGTAAGCCCTG
AGGAGGCAGCGTTTTCTGGGCTTCTGTCTGGTTCTCTCTCCAGAAGTTCTGCCGGTT
CCCCAGCTCTGGGTACCCGGCTCTGCATCGCGTCGCCATGATGGGCCATCGTCCAGTGC
>EP73444 (+) Hs TSC22; range -499 to 100.
CCTCCAGTACCGCTGCCGGTAAGAACTAGATAATTGAAATCAAGACACTCGAAGTCTTA
CAGTGGTGGGACTGGGACTGCCAGTACCTCAGACGGTTCGGGTTACAAATAGGAAGCTT
TCGCCGTTAAGCAGCCGCGGACACAGCTCCGGGGACCGGGTCTGACTCCCTTAAACGT
AAGCACGTGTGGGGGCCCCCATAGTATTTTTCAGGGACCTTCACATTTTCTGCCGAAGC
AATGGCCAGTGTGTTTGGAGCCGCGTGGAAACCTCCGAACCCAGCACCCCACTCCCTCT
GAGCACGGCCCGCGCCAGGCCAGCCACCCACGAGCGGGATCTGGAGAATGGGGCGGA
GGTGGGGGTGGGGGAGGCGGGGAAGCAGGAAGCGGGAGGACCTGGAAGGGAGTAGGGG
GCGGTCCAGTGGCGTGCCGGCCAATCGGCGCAGCTCTTCTGTCATATATTTTGCCTA
AGACTGGGAGTCTGGTCTAGAGCTGAGTGGAGCCCGGTGCGGATCTGGGAAGCGCCTC
TTCACGGCACTGGGATCCGCATCTGCTGGGATCATCAAGCCCTAGAAGCTGGGTTTCTT
>EP73445 (+) Hs TUBB4; range -499 to 100.
GGGCCAGCCTTTACCTACCTCCCCACCCAAAACCGGCAAAAGCTCAGAGCACCTTGTCT
GCCAAAAGACAGGGAGCTGGGATGGTGC GGTTGGTCTCTAAACCGGCGTGGGAAAAAA
GACCCTCCGTACAAAGCCGCAAGGTGGGGCTGTGCAAGGGCGGAACCGAGAGGGTAGCT
GGGGGCGGGTTCCAGGGCAAGAGGGGCCATTGTCTCCCTGGAGCCCGGCGCCCCCA
CAGCCAGCTCCTCTGGGAGACAGCCCTCCTTTGAATGCGCGGGGCCCTCAGACCGCGC
CCGGCCAGCGCTGGGGGATCCTTGGCTGCGGGAGGGGCGCCGATTGCGCGCGGCGGGC
GGGGAGCGCGGTGCGAGCCTGCGGGCCGGGCGGGGCTCTGCGGCGGCGCCTCCCGATT
GGCCACCCGCGGTGACATCAGCCGATGCGAAGGGCGGGGCGCGGCTATAAGAGCGCGCG
GCCGCGGTCCCCGACCCTCAGCAGCCAGCCCGGCCCGCGCCGCTCCGCAGCCGCCC
GCCAGACGCGCCAGTATGAGGGAGATCGTGACATCCAGGCCGGCCAGTGCGGCAACCA
>EP73446 (+) Hs MCM5; range -499 to 100.
TGGGCAAGATGGTGAGACTCCGTCTTTATGAAATATTTTAAGAAAATCACGTACACCTGT
GGTCCCCGCTACAAGGGAGGCTGAGGCGGAAGGATTGCTTGAGCCCAAGAGGTTGAGGCT
ACAGTAAGCCGTGATCCAGCCACTGCACTCCATCCCCGGCAACACAACGAGACCATGCGT
CAGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAGAAAATAAAAAAGAAACACCTAAAGGCGTCTCCGC
GCGCCCGCCCTCCGCCATCTTTGCGTCCGCCCCGTCTGCGCCGCCACTTCCTTCCAG
CCAGAAGTTTCGCGCCAAATTGTTCCGCACACAAAATGGAGCCCGGAAGGAGGCGAGGTC
ATGCACTTTGCAGCCAATCATCTTCGGCAGACAGTCCGGGCGGCGGGGCTGGAGGGCTCA
GAACGGTCCAATCGCTGGCCGCGAGGCTCCGGCGAACCAATGGGAGCGCAGCGGCTGCGG
CGTCCGAACACCGCCTCTTGTGTTTTCCCGGAAACTCGGCGGCTGAGCGTGAGGTTCTT
GTCTCCCCTGGTTTGTGAAGTGGGAAAACAGAGGTGAGGCTAGTGGGAGTGGGACTGG
>EP73447 (+) Hs PAICS; range -499 to 100.
CTAAGAGCTGCCTGGAAAGCTGATTTTGTGTCACGTGGAAATCTCCGTTATTTTCCAGCA
CCCAACAGTAGCGTAATGGGAGTAAACGGACTTAACCTCATTTCTTTTCCAGAGCATTTAG
CCTTCATATGCCCTTCCCTGCATGCTTCCCCCAGGCCGTCAAGACTTGGTACGCTCCAAC
TTCTGAGTGCCTCCCGCAGCCGAGAAGGGGCGGGGTATGCGAGCTTCCGCAGAGTGGGG
AGGGGCGGCCAGTGCGCGCCACTTTTTCGCTGTCCGGGCACTGCGCCAGCGCGGGGCGGC
CCGGAGGCGGGGTCGCGTCTCTGCGCCTGCGCGGCGGGAAGCCAGTGGGGCGTTGTTTCG
TCCGATATCCGCGTTTCAGTCTCCGCCCATAACCCCTCCGGGTTAGGCGGCTGTAGCGGAG
CTCGAAAAGAGTGGCGCAGGGTGCAGCGGCGGCGGCTCCTTCCCCGCCAGCGAAGCTCT
CTGACCACCCCTCTTTTCTAGAGTTCTGCCTCGCTTCCCGGCGCGGTGCGAGCCCTCAGC
CCACTTAGGATAATGGCGACAGCTGAGGGTGAGTAACAGGGATCCGGGCCCTTCACGGTC
>EP73448 (+) Hs AGR2; range -499 to 100.
TAGGGTGCATTGTTTTGACAGGAGCAGGGAAGTATTGTAGAAAATAATTTTTATCATAAT
GGAGTATGGCAGGTTATATGACTGCGAGGATCAGAATTGTGAATCATCTTGTGTGTCT
TCAAGTAAATAAAGGCAATCTGCCCACGGAGCAGAAAAAAATCTACAACTACAACTC
TGTCATCATGTAAAGACAAATCAGCCTTCAGGCAATCAAATGTCTTCATTCAAAGTC
TACCTGGATTTGGCACTCTGCCCATCGTTTCAAACCTCTTAACAATACGTTTCACAAAT
AGTTAAAAACATGCATACTGAAAAGCATACTTTTGCAATGTTATTTTTAAAAACAAGGAA

CTCTTTAACCCAGGGAAGATAATCACTTGGGGAAAGGAAGTTCTGTTTCTGAGTTAGCAA
CAAGTAAATGCAGCACTAGTGGGTGGGATTGAGGTATGCCCTGGTGCATAAATAGAGACT
CAGCTGTGCTGGCACACTCAGAAGCTTGGACCGCATCCTAGCCGCCGACTCACACAAGGC
AGGTGGGTGAGGAAATCCAGGTAAGGCTCTGACAGCAGCTTTAGAAGGGTACTTGCTGG
>EP73449 (+) Hs ZNHIT1; range -499 to 100.

AAGACGGGGAGAGCGAGAGGCTGGCGGCGACAGGGAGGGAGGAAGCCTAGGAGTCCGCCG
CGGGACGGAGGCCTGGGGAACTGGGAGTTAGCTTTCTGCAGAGGGCCACTAGGAACCT
CGGATTGCCCACGGAAGCCAGCCACTTTCTTTGACAGTCCAGCCCACCTCCTCTTGCC
CGGAGAAGCTCCAGGGGCTGCCTTTGTGATCACAGCATCTTACAAGGACCAAAGGAAAA
TAAGATTTCTTGTAAGAACACCGTGACCACATCTTTAAAATGACCCATTTCTGTTGGCTCCC
ACAAGATTTACACCTCCACACTGAGGCCGGAAGTGGTTTTGCCCTATAAAACATGGCGA
AAAGCTTTCTTGCTCCAAGGAAACGCCACGTAATGAGTCAAAGCTGTGGCGCACGCGCA
GAAGTACAAGCTACCGGAAGTGATGGCGCCCTACTAAAGCCTTGGGGTTAGTACGCGTG
CGCAGCAGTTTCTCCGACAGTTGTGTTGTGCCAATGGTGGAGAAGAAAACCTTCGGGTAT
GTGAGCCCCCGGGTTCGCCCCCTTCCCTTCCCAAGTCAGTCCTAGAATTTCTTACCT
>EP73450 (+) Hs SLC35A1; range -499 to 100.

GTAGAATAAATTATAACTTATCTAGAACAACAGGTAACAGTGGAAGATAATGAGCCAGGT
GGAAGTTACAAATGTTGCCGCAAGTAGTTTCTGTTACTTTACGAGTTCTGGGAGCTTCTC
TAACAGCTTTGACAGGAGTGAAATCCCAAGGCTAAACCCAAATCCTTATTTGCCGCCTAC
TCACGCCTTTGTGAGGACTACGATTCACAGACGGCAACGCTCCCTTCACTCAACTTCCTT
AGCTGGCGGGGAGAGCGAGTTTACAGAACTACCTCCCCAACCGAATTTACACACCTGTC
ACCTAGGACGCGGCCGGAAGGCCTCCCTTCGATCCGCGTTCTCCCCATTTTGGGGTGTA
GCTTGGATTCTGAGCCCAGTTTATGTCGTGGCCGACCGGGAGGCCGGCGAGGCGCTCT
AGGCCGAGCGGCTTCGTCTCTATGACCACAAGGGGCGGTCCCCGGTGTCTGCGCGGGGG
CGCGGAGGGGGCGGGCGTCAGTTCCGCGGGGGGCTGTGCGGGAACCATGGCTGCCCCGAG
AGGTGAGAAGTGGGTCTGCTGGGAGTGGGAGTCCGCGGGGGCGGGCGCGGGCGAGCAT
>EP73451 (+) Hs NPC2; range -499 to 100.

GTTAGGGACGACCCCCAGGCGGCAGCCATCTTCTCCACAAGCTCCGCCCTCGCGTCTC
CCCCGTTTCTCACCCGGGGCCTCGGGAGGCGGAGAGAACGAACAGGAGGCCGGGACTTCA
CGGAGGCCCGCCCCCAACATGCCTATTGGGTAGTGCGGGAGGAGAAGGTGTCTGATT
GGCTAGGAATGCTCCAGACGGCAGCGGCGGGGACGCACCCAGGAAGCCGGAGAGGTGCTC
TAAAGGGAAGGAACGGGGCGGGGAGGAGTGAGGCGGGGCGGGGCGGAGGTGGGTCCGGGC
GGGTCAAGCCTCTGAGGGATGGCATGGGCGGAGACTGCAGGCTTCTGGGCCTGAGAGGG
CTGGAGCTGGCTTCCGGAGCCGGGGGCGGGGCGCGGGCGGGCCTCAGCTGTGGTTACTG
GTGACAGGTGCGCTGACTGGGCTCTCCCCGGGCCCGCCCCGACAGGTTTGTCTTGAC
CGCGGGCGGGCGCTGCTTCTTCCCGAGCTTGGAACCTTCGTTATCCGCGATGCGTTTCCT
GGCAGCTACATTCTGCTCTGCGCTCAGCACCGCTGCCAGGCCGAACCGGTGCAGTT
>EP73452 (+) Hs DNAJB1; range -499 to 100.

GACACAGGTTAGGTAGTTCTCGGCGTCACCGGGCGGGAGCCACCGCAGGCCCCACGA
GACAAGGGCGAGCAGGTTTCATCGCTCCCGGGGAAAGGACTGGGTAGTCCAGGCCCCAC
CCCTTCTGGAACAGCAAGTTCTGCTGTGGGTCCCGACCTACTGACCCAGGCGGAGGGCGG
GACGCAAGGTAGCTGGGGCCGCTAGAGAGGGAAAGAAGTTCGCGATTGGCTCGTCCCGA
AAGGTGGGCGGGGCTCTCCGACCTGTGCGCGCGCGCCGCGGGGAGGTGTTGCCGAGGG
CGGAGCGGGAGGGGGCGTGGCCCCGCGCGGGCGGCCGTTGACGGCGAGGCCCGCCCCGG
ATGTGCGGTGTGCTGAAAGGGCGGCGGCGATTGGCCGGCGCCGCGGGGGCGGGCGGGGC
GGAAGGTTCTGAGGGGGCTGGCGGGCTCTGGAAGCTTCCGCGGACGGGTATATAGAGT
CCGGGACTGGTGGCGGGGAGCCGGGGGACGGCGACAGCGGTTCGGCGGGCGCAGGAG
GGGGTCATGGGTAAAGACTACTACCAGACGTTGGGCTGGCCCCGCGGCGCTCGGACGAG
>EP73453 (+) Hs HMGN4; range -499 to 100.

AGAATAAATTCTATGGCTTACGTTTGAACACTGGAGGGGCTGGGTCTGAGCTTTTCATTG
GTTTTTCTGTTTGAGAGGTGCGTACAGAGACGCACGCGCATCAGCAAAACACGCACT
TGGAACGAAGAAACACGGAACAGGCAGGAAGAACTATTTACTCTGAAAAATAAGCCCTT
AGTGGGTTTCCGTAGTGTAGTGGTTATCACGTTTCGCTCACACGCGAAAGGTCCCCGGTT
CGAAACCGGGCGGAAACACGTTTTTTTTTCTCATCTTACTACGAAATTCTTCCAGTGTG
TATCTTTTAAAGACTTTTTTCAAGGCTGTCATAAATTTCTGTCTTCTTGTCTTGTAGATC
GGGGCAGCAGTGCTTAGGGCGGGCTCAGAGGCTCACACACGTATCGCCAGGGGGAGAAC
CAGCTCTCTCCGGCTTGGACTCGGGCGGCTCCCCGCTGCAGCCCCGGAAGCGCATCCT
CACCTTCCCTCGCTTCTGTTCTTGGCGGAGCCGGGCTCCGCTCGTCTTCTGTCTTA
GGGCTGGTGTGGCCCTGCCACGCCTAGGGCTCCGGCGCGTCACGGGCTCAGCTGGGA
>EP73454 (+) Hs CCT7; range -499 to 100.

GCCAGAAAACGGGCATTGGGGGCGAGCTTCCACGCTCGTCCCGTTGACACTGACTATGTA
ACTGTGACACTGGACACCTTGACCTCTCAGCTCCTTTCTGTATCAGTAAAATGGCCTT
AATAGGACCAACGCAATAGGGTTGTGAGGATTAATGAGATCGCTCACGTAAAGTGCTTT
GGCACCAGCCTATCCCACACTTTGCGTCCCACACTTTTGCTTTATTGCATTCTTGGTC
TGCGCTCCGGGATGGAGGAGGTGGAATTAAGTTAGTAGGTGATGCGGGCCGAGCAAAG

ACCCTCCGTGCTCTAAGAAGCACGACCGAAATGCGGCGACCCCTCTTTAATGAACGCCCC
TCTACTAGAGAGTCCCCGAAGCCAGCCTCAGGTCCTTCTAGCCGCACCGAGTCGGTGTA
ACGAACCATAGAGTAGCGGAAGTGGTCCGTCTCTTCTCTCCCGGCCAAGCTTCTGGG
TATTTCTATTGCGCGAGGCATTGTGGGTTGCTGGGCGGCCCGGTCTCGGAGAAGAGGGGA
GAGTGGCGGGCCGCTGAATAAGCTTCCAAAATGATGGTGAGTGGCGTCTCGCGCATCCGT
>EP73455 (+) Hs NOL5A; range -499 to 100.

CGGCGCCGGGGAGGCTCGTCCCCGAGTAGGGGACGGGAACGCCTGGGTCCCGGGGACGTG
GGGCGCAGGGTCTGGGGCCGAGGCCACGGACGAAGCGGGAAGCCGGCTAGGCAGCGGTCT
TCTGTCTGGGATGGACGCCGCGCCCCACGCGGACCTCCCGCCCCGACTTCACCCAGCTCT
GCTGCCCCGTAACCTCATATGACAAGAACATCAGGAACCGGACTATTACCCCGAAAGGGCCT
TCCCAAGTCGTTTCGCCGCGCTGCAGTGCCCGACCGGGGGCCGCGCGTCCCGGCAACCAC
GCCCCGCCGCGCAGCTGCAGAGGCCGGAAGGCCGCTCGCCGCGCTCGGCACCAACC
AGCCCGCGCTCCGGGCGATACCACCTGGGCGGCCCTCCAAAGGCCGGAGATGGTGTCTG
TCCCCGGCTCCGATTGGTCGGGGGGCGGGGGCGTGGCCTCTGGAGCCTGGTTCGCGCG
GCCGGAGCGCTAGCCGATTGCGAGCCGAACCCGGGAGCTGGCGCCATGGTGAGGAGT
GGTTGCGGGGCGCGGGCGACGCGACGGTGGGGTTTCGGCCTGCGTTCGGGCCGAGACA
>EP73456 (+) Hs CHI3L1; range -499 to 100.

CAGTTTCCACCTGGCCAGGGCCTGGAGTGAATGCTGAAGATGCAAGGTAGAGGCTGCC
AGAAAAGCCAGGAAATTGCTGGCAAGAAAGGCCAGTGGTGGGTGCAGGAGTGGGAGGAA
GGCTGGGAAATGCGGCTGAGTCACATCTCCAGAAGCCCCCATCATCACCTAGTGGCTC
TTCTGCTGGCAGGTGCCTCATGAAGACCTGACCCAAAGTTTTCAAACCTCTGCGTTTCT
CAACCCTCTCTGGTAATCCATAGTACTCCCCGCTCCACTTGCCAGCCTCGTGATTCC
TTCATTGACACATAGCTCAGTTCCCATAAAAGGGCTGGTTTGCCGCGTCGGGGAGTGGAG
TGGGACAGGTATATAAAGGAAGTACAGGGCCTGGGGAAGAGGCCCTGTCTAGGTAGCTGG
CACCAGGAGCCGTGGGCAAGGAAGAGGCCACACCCTGCCCTGCTCTGCTGCAGCCAGAA
TGGGTGTGAAGCGTCTCAAACAGGTATCTGGGCTAGCCAAGGTTAATCCATCAGAGTTG
TGGGTTTTTCAGGCCAGACAGCCCGAGAGCCATCTGCCTGCTGGGTGAGGGACTAAGGG
>EP73457 (+) Hs CIRBP; range -499 to 100.

GGACGTCGGTTGTATTGGCAAGAATATCACGACAGGTGTCGGGGTTTCAGATGAAGTTGGG
ATGTCTGACAGCCGGGTCTTGGTTGGGTAGGGGATCTGGGCTAGGTTGTTATGTCGGGAC
TGCTGGAGCACAGGCAAAGTCGGGGTCCAGTGACACCCAGAAGTCCCATGAGGCCGTA
GGCCTGGGAATCGGGCTAGAGGCCCATTTGTTCCCCGCCGAGGCCAGGGAGCAGGCAC
GCGTAACCTGGGTACGCCCCGCCCGCCCCGCGCGCTGGTCACGCCCCCTCGAGCGCG
GGTGGAGGACTGCGGACTGCGAAACGTCTCGCCAATAGTCGAGCCGACACCACTCCGCG
GGAGGGGGCGGAACCGAGATAGACTCGGCCCCAGCTCATGAATATAAGACGCAGGCGCG
CCCTCTGATTGGCCAGGATGTGTAGGGGGCGGGGCCGCGGAAGCGTATATAAGGCCG
GGCTCGGGGACGCCCCCCTCACTCGCGCGTTAGGAGGCTCGGGTCTTGTGGTGCCT
GTCTTCCCGCTTGCCTCAGGGACCTGCCGACTCAGTGGTGAGGGCCCTGGCTGCACCCG
>EP73458 (+) Hs AQP1; range -499 to 100.

GCCCTGGGCCCGGGGACTCCAGGCCAGTGCCTCTCTGGGTGCGGATGGGGATGTCAGGCC
AGCAGGATCATGGTACCTGCCTCCAGGGAGGGCAACGTCCACCCACTGAGTCCAGCCCGC
CCACCCACCCACTCCGGAGACCTGGCTCTGCCCTCAGGAACTCCCTGAGCTTTGCACA
CAGGGCCGAGACACCTGGATTCTCTGGTTCCCTGAGTGGGGCCAGCTTGGAAGAATTTT
CCAAAGCCTATTAGAGCAACGGCTGCCTCTGCCTGCCTCCTTGGGCTGGGCAGGGCTGA
GGGCGGAGGGAGAGAGAGAGAGAGGGAGGGGGAGAGGAGGAAGGAAAAAGTTGGCAGGCC
GACAGCACAGCCGTGTCTGCATCCATCCAGAGGAGGTCTGTGTGGTGTGGGGCGGGCCAG
GAGCGAAGAGAGGCCTTCTCCCTTTGTCTCCCCCGCCCCCGGCCCTATAAATAGGC
CCAGCCCAGGCTGTGGCTCAGCTCTCAGAGGAATTGAGCACCCGGCAGCGGTCTCAGGC
CAAGCCCCCTGCCAGCATGGCCAGCGAGTTCAAGAAGAAGCTCTTCTGGAGGGCAGTGGT
>EP73459 (+) Hs CTNNA1; range -499 to 100.

TCCGGGACACCTGTGACACTCTTGAGGGGAGCGTGCCAGTACCCCTGGTCGCGTCTCTG
GGATTCCGCCGGGGTGGGGGCCGCGCGAGGCCGCCCTGAGCCTCACCTGTGCGCGGAG
CGGTGACTCACCTGCCCTCGCGCAGCCCTCTCCGCCCGCGGGCTGTTCCAGGAGTACCG
CTCCTCTCCCTCTCAGGGGTCACTCCCGCCTAAGCTCCCACTAGGGGCCGGGGAGGAA
GGAATTCTGAGGTGGGCGGCGGGGAGGAAGAGTCCCTCGGGGTCCCGGTCCGGCGTTG
CCAGACTCTCTTCGCGGTGGGGGCTTCCCTTTCCCCAAAAGCGGAGGCCGAACGGCCG
GGAGGAGCGGGCGGGGCGGCGGGGAGGCGCCGGGAAGAGCGAGTCGGAGGGAGGTGCC
AGGAAGGGGCGGGCGGGGCGGACAGGGGCGGGGCGCGGGCGGGGGCGGGGCCGGGGG
CGGGGGCGTGGGGCGGCCATTTCTCTCTCTAGCCGACTGGAGGGAGACAAAGCAGCG
CCCGTCTGCTTCGGGCTCTGGAATTTAGCGCTCGCCAGCTAGCCGCAAGTAATTCGT
>EP73460 (+) Hs ARPC5; range -499 to 100.

AGGGCACTCGGTCCGGCAGCCAGTCCATCCACCCACAGCCAAGTCCAGCCAGCCGGAC
CTTACGCAGGACCCGATGATAGGTGTTGACGGCTGCAGCAAAAGCCAAGGCCACCTGC
CGCTGCTGCCATCCCCGCAATCTGAGACCCCTAGACTGGACCGCAGAAAAGCGTTTC
TATGGGAACCCCCACCGAGAATCACGTGACGCAATCGGACGACCAATCGCTTCTTACC

TCTGCCCCGGTCCAGCTTTTGGCCCTCCCTCTCGCCCCCGCTCCTTCGCCAGCCCCG
CCCTTGCCTGCGGAGAGCCGCGCCTGCGCGCTGTGTCTTGCAGCTCCTTCCCTCGCG
CGCGCTCTCCGTGGAAGAGCAGGGGAGCGTGGGAGGCGCAAGGGAGCGCAACCTGAG
GAGGAAGAAACGGGGCTAGCGCGCAGGCCAGAACGGTCCGAGCCGCGGCAGTCGGCGAC
GCCTCAGAGCGGAAGAGGGAAGTGAATCAGGCGCCGGGTAGTGGGTGCTGGGCTGGGCT
TGCTGAGGTAGAGGCAGCGCAAGAAGAGGCTTTGCCGCTGGTCGGGATTGGGATGTCG
>EP73461 (+) Hs ARPC2; range -499 to 100.

CTTGCGAGGTTTCTGAAATGACAAGACCGGAAGAATGGAGTTGGATCTCTGGGACAAGCG
GGAGAGAGAAGCTGAACAGTCAGGCAAGCCTCGGGGAATGACAGCTCCGCGGGGGACGCA
CTGGTAGGCGGTAGACGTAAGCGGGGTGCTGGGAAAGTAGACGGTGGGGCGGCGGCATC
ACACATACGCAAGCGCAGCCTCCGTTTCTCCGGCGCGCCTGCGCTCGCGTTACAGAGTG
GTTGAAGCGGAAATGGCGCCGCGGGGCCGCGCTCAGGCGGCGAGCGGAAGTGGGTGTG
AGAGCGGAAGTGGCCGGCTAGAGCCGGGGGCTGGGCGGGGACCGGGCTTGTGGTGAAGC
GGCAGTGGCGGCGGCGGCGGCGGCTCGGCAAGGCGGTTTACAGGCTTCGGGGGCCAGGTCGG
TTGGGTGGGTGGGTGTCTCCACAGTCTGCGTGCCTGGGCCAGCGGTTCTGTTACCTT
CCCTCCACCCCGCCCCCTCTCCCTTCTCCCTAACCTCCTACCCACCCAGCCCCACTC
AGGGGGCAGCAGGGCGCTCCCTCCGTCCCTTGCCTCCCTTACCCACCTCACCAGGCCCTT
>EP73462 (+) Hs ARPC1B; range -499 to 100.

GACCGCTGCTCCCCGCCAGGGCTGCACAGTTGGCGCCACCGGCATCAGCGTGAAGG
GAGCTCCTCGCTGGCTGCCGACGGGGCTGCAGGGCTCGCTAGCCGCTCACCTGCGTGTGA
GCGCGGAGCCCGCAGTACCCGCCGTCCGGGCTCAGAGGACGTGACTCCCCGACCCTGCGC
CCGGCAGTCCCCGGGGGCCGTGCGCCCGGCCAGGCTCGGAGGTCCAGCCAGCGGCGGC
TCAGGCTGCGCGCTGGCTCCAGCCTCAGTTTCCCATTTGGTAAAGCATTGACGGTGGT
TGCGGACGGCTTCTGCGGACAGAGCCTTGGGCTCCGACGTCTGCGCGGGTACCGGCAGCA
CCCCACCCCGAAGGGAGGGCGGGACCTGGATCTCGCGACCGCTGCCCAAGTCCCCGCC
CCCGGGCCCTACCGGGCTGAGGTGCGCAGGCCCCGCCGCCCGCCACGAGGAAGTGGCTG
CTGCTCCGGCGCGGAGCCAGAGCCGGTTCCGGCGCTCGACTGCCAGAGTCCGCGGGCG
GGGCGCGGAGGTGAGGGCCGTGGGGGCGCCGAGGTGGGGGTACGGGGAGCCACCTGG
>EP73463 (+) Hs BCKDK; range -499 to 100.

TCTGCAGGCATGAGTGAATAATAATGCCTAACCTTATATAGTGCTAATTCCACGCC
TGGCACTGTTCTAGGCACTCATATAAATTCATGTAATCCACACAACCCAAAAGTATGA
TATCTCTTTCATCTTACCAAGCACTGAGCAGTTAAATAACTTGTCCAGATATTAAGGGGT
CGAGCTGGGGTTTGAAGCCTGGTTACCCATAAATGAACCAAGAAGTGAAGGAGGACAAG
AGCTCCGAGAAGGAGTCAGGTAGGGCGTGATCTGTGCGCTTTACATCTAAGATCTTCCAG
CTCCCAGGGAGCCGTTTTCATAGAGCAGGAGATAGAGGCTGGGAGGGACACGAGAGCCT
CGAGAGCCGTGTGGAGGAAGCGGTGCTGTTTGGGGTCCGGGAGCAAGGGCGTGGCCTGGA
TGCGCGGGGCGCCGGGACGGCACGTCTCAGACCAAACCTACAACCTCCAGGACCCAGCGG
GCGCTGCCGCCACGCGACGTACGGCGGGCGGAGGGCGCAGGCGGCTGGGCGCTGGCGA
GTGGACTGTTTCGAGCCCTTCCGCTGGGACCCGGGCCCTGGCTCCGGCCCCGCGGTAAGTG
>EP73464 (+) Hs PRDX2; range -499 to 100.

GAGCTGGGTGGAGATTTGCAGCCCGCCAGGAAGGTCCCTTTGCAGCCAGCAGGAGAAGT
AGGGCAACGGGGAGCCTTTGGGCATCGTATCCCCGCCGCTGAGGTTACCTTTAGATG
CTGCAGCCTCAGCTGCTCCAGCTGTACCTTCGCCCTGCTGCCCTAAGTACTGATAGTC
CTGGTAGACCAGGGCAGGGGTGCGCAGCTGCAGGAGTAGCAGAGGCGCCAGCAGCAGCGC
CCCCGGGGTCCGCGCCATGCTGGACTCCAACGGCCCCCAACGCGCTCCAGGCGGAGTCG
TGCGCGGAGTCTGCGGCGGGCGCATTACCCACGCGGGCAGGTGCAAGTGGTCCCGGCCGAA
GGCAACGCGTCTCCCCCGCCGCCGCGCAGGCGCATGGACCCGGCGCACGCTCCCCGCA
CCTGCGGGCGCAGTGGACCCGACCGCTCCGCTCGTCCGCTCCCTCCCCGCGCGCTGCAC
GTCTTGTTTGGGGCGGGCATAAAAGGCTTCGCGGCCAGGGCTCACTTGGCGCTGAGAA
CGCGGTTCCACGCTGTGATCGTCCGTGCGTCTAGCCTTTGCCACGCAGGTATGAACAC
>EP73465 (+) Hs LHFP; range -499 to 100.

CAAATCTCAAAGGGGCCACTTTACCACTCTTTAAGGCCCTTTTCCCGTCTACGGCTTC
TTTTAACGGCGGCAGGAAAACAGGAGCATAAACCCGAACAGTAAACCCAGAAAAGCCCCA
ACAGGCAAAGTGTGTCATCTTCCGTGGCTCCTCGGGGTACCCAGGAAGACAAGCAACTT
TCTCCCATACTTCTCGGTCTGTCTGCCTTCCCACTCAGCTTTGAATGAGACGCAGGGAG
AGGGGGCGCGAGGGGGCTCGGGGCTAGGGGAGGAGCCGCAAGGCTGCCCCGGGGGTGG
GCCTGGACCCGCGCGGACAGCGGGGACCCCCCACTCCCTTCCCGCGCTCCAGGAACG
TCCCCGGTGCCTGCGTGTCTGCGCGGAGTTCCCCGGGGCGCAGGGGAGGGGACT
GGAGAAAGAGGAGGGCCGGGCGAGCGAGGGGAGGAGGCGGTGCGTGCCTGCGCTGCCAAA
GGGAGATCCGCTCCTTGCCTGCGATCCCCGGCGCCGCGCGGCCACAGCGCTCCGCC
AGAGCTGCCGCCGCGGACTCGCCGGGAGTGGGGGTCTCCGCTGGTGCCAGCCCGCTTCTG
>EP73466 (+) Hs SDCCAG10; range -499 to 100.

CGCCGCACCTACCTACCTCCCTTGCCTCCCTTCGGAGCTCGGACGCAGAGGCCCTG
TAATTGCTCCTTACCTGGGACTGCCATGACGGTGGTAAGAGGGGTAACTCGAGCCTTGG
CTTTCGAAAAGGCGCTTGTCTCCCGCCAGCTGTGAGAACAAAGGCACAGTCAAAGCGGCGT

TTTCCTTCCCCAGCGCAGCAGCACCTCGCTACGGTCGGGAAGGGCCTGTACGCCTCTA
GCGACGGCAGAACCACTAGATGCGGATGCACTTTCCGGACGAGTCATATTGCAGAAGACA
CATGGTCCGAACCACTACTGATAGTTTTGGAGGGGAGTTAGTTTGATCTGCACACGAGA
GTAGTGTAACACCCGCCAACCTTATGAAGTGCCCTTCTAATATTGTAATAACAATAAC
ATAAATAACATTAAGCTATGGTAACTTTACGGACTTTTCTCGTTCCCTGGAGTACATTGG
AATAACCTTCTCAGGGTTAGCGGTGCTCGGGTCCGGTAACAACATGGCGGCGTCCGTGA
GGGGCTCCTTTGGGCAGGGGTAGTGTGGTGTCCCTGTCTTGCCTGATATTGACAACT
>EP73467 (+) Hs LRRC17; range -499 to 100.

CTTGATCCAATTTTCTGCCCAACTTTCCAAGTCTGTCCCTCAAACCTTAAATATTTTC
CCACGCAGATCTCAAATCTTCATGTTATTCAGCCCAACGGTGTAATGCAATTTTTTAAAT
TATGAGTTTTTGTGTATTTTCTTTTCTTATTTATCACTTATAGCATTTTACCCCCCCC
CCCCAAAAAACCACATGTGGGAGTTAATTGACTTTTCAGGAATCCCATGCAAAATTCT
CCCTCAAACATTCTCTTTGTTTGTGTCTTGGTAGCAACTCCAGAGTTTTTCAGGACTTGG
ACTCTGCTTTAGACTTGTGCTCAGACTGTCTCCACAAAAGTGGTCCGTTTCTCATCCAA
TGAGCTCTGCCTGTTTGTCTGTGTGACACTCCAGTGGAAGGAAGCCAAGAGCCTATAATA
GCGATCCTGGGGAAAATTTACGAGCTGGGGCCATGTAATTTAAACCTCTGAAAAGTGT
GCTGCGGTCCGTGCACAGCATTAGTATAACGTGAGGGCTGAATGCAGCCATTCTCTGGA
GAACTTCTCACACACCGCAGCAAGAGAAGACTGAAAGACAAACCTGGGTGCAGCCAGA
>EP73468 (+) Hs P5; range -499 to 100.

GCGGAGCAAATGTGTGTCCACGGAATATTCGTGCGGCACAAGAGGAATTCCCTGTCAGCT
CCCAGGACCGTGGGTGCCCTGAGGCCGAGTCACGCTCCCCGGGATAAAGAGGGTGGGGG
CGCACACAGGCAAGGAGGAGCGGGGTGGGGGGTGCAGAATAAGGAACTAAGGTAAAA
CGCCAGTACTGGAATCCCTCCGAGCAGCACCCGAGAGGGCCCGGAGGAGCTGAGGCG
GTGCGAGCCGAGACTGCCAGCCCCGCCCCAGCAGGCCCGCCTTCCGCTGCTCGCCACC
GCCCCCGTGAACAAAAACCAACCGGTAACTCTACCCGGCCGCTCCCATTTGGATATGT
GAGTGAGCGATGTCCGCCCGACCAATGAGCCGCAGCCACGGCTTGCGGAGCGCCTCCG
GCCCGCCCCCGCGCGGCCGCCCTCGGACCACCGGACTGGCCTGGGGCGGGACGTGGGCG
CGGGGGCGCGGCGTGCAGGCTGAGCGGCGGGCGGGCGGTGGGACTGCAC
GTAGCCCGGCGCTCGGCATGGCTCTCTGCTCGGTAGGTGCGGGCCAGCGGAGGGAG
>EP73469 (+) Hs PBEF; range -499 to 100.

AACCGGCCAGGACTGGGTAGGACGGAAGTCCCAGGCGGGGCGGGCGAACCGGCTCCTCG
TGGCACTGGCAAAGCTGGGAACGCCCTCCAGGCCCGCCCTCCCGCGCCGTGCCGGG
AACTCGAAGCTTAGTAAGCGCCGGGTACGCGCCGGGGCTGCCCGCTGCCTCCAGCTT
CCCAGAGCTGGCGTCTGGGAGGAAGAGCGGTGCATCACGTCCTCCTCCCGCCCCGCT
CCGCGCACTGCGCAGCGCGTGCCTCGCCCCGCCCTTTCTCGGCCCGGAGGGTGACGG
GGTGAAGGCGGGGAACCGAGGTGGGAGTCCGCCAGAGCTCCAGACTGCGAGCACGCG
AGCCGCCGCAGCCGTACCCGCGCGCGTGCAGGCTCCCGGGCCCGCCCTCCTTGACCC
CTCCCTCTCTCCGTTTCCCCCTCTCCCCCTCCTCGCCGACCGAGCAGTGAATTAAGCA
ACGGAGCGCGGTGAAGCTCATTTTTCTCTTCTCGAGCCGCGCCAGGAGCTCGCGGC
GCGCGGCCCTGTCTCCGCGCCGAGATGAATCCTGCGGCAGAAGCCGAGTTCAACATCC
>EP73470 (+) Hs PPIF; range -499 to 100.

TAGGGGGCATCATGGGAGGTGTCTCAGCTTATCTCCTCCCTCTTGCGCTCTAGCTCACT
AATCCCGCTCTCATCTCACCTTTCTCTAACCTCTCAGACTGCAGGACCTAGGGCAGCA
GGGAAGCTTATTTGGCCTGAGCCTTACCTGCAAAGGGCTCAAAGGTAGACTTTTGCTATT
ATATTCAAATTGCAACGTATAGATGCTCATATTTGGAATTAATTACGTTTTAGCAGTTT
TTCTTTTTTTAAAAAATCTGCTGGTACCTTAATAAACATGGAACCAAGCAACCTTTTGGC
AGGTGTCTGTTCTCCGGTCTCTGGGCTGGAGGCGGGAGTGTTTCAAAGCACTTACGCG
TCCGCGGCCCCACCGCTGGCTGCGCTGCCGCTGCGGCCGGCAGGGGTAGTCCACGGAC
AGGCTTGGAGGAGGCGGGACGGGGCAGGGCCGGGAACCTGGGCAAGCCAATAAAGGCTG
CGCGCGCGGCTGCGCGGGACTCGGCCCTTCTGGGCGCGCGACGTAGTTTGAGTTCTG
TGTCTCCCCGCGCGTGTCCGCGCCGACCCGCGCGCGCGATGCTGGCGCTGCGCTGCGGC
>EP73471 (+) Hs FRB; range -499 to 100.

CGAGTAGAGGAGAGATTAAAGAAAGTAAGTAAAACTGAGGTCTGTTAACAGCCCCTCTCC
CGCCGCCAGGATTTGCACACCTTTCTCTGCAGGAAGCCTTGAACCTCTCCACTCGCATT
TCCACCACCTCCAGGCAAGATCTCCACGTGGAGGCCCAACCCCTCCCTGACGCGCCCC
ACTCTGCCCCGCCACCTGGTGGGCGTCCCGGCCGTTAGCGCCCTGGAAGCATCCGGG
ACTTCAGGGTCACTACATTACAATGCCTGACAAATCCTAGCCAGTTCTATCAAATTATAT
CTTTCTTACAGGCTTTTAAGCTATTAGTCTCATAAAGATACATTTAATCAGCGAGGTAAT
GGCATGATGAGTGTTTTAGGTAAAGAGAAGAGGAAGTGTGCGCAGCAGAAAGGCGA
TATTCAAGACAACACGCACAAGAGAGGGGCTTACGCGCTTCCGTAGGGAAGCCCGG
GTCAGCTCGCTGCGCAGGCGCAGTGAGTTGACACACCATGCCGACTGTCAGCGTGAAGC
GTGATCTGCTTCCAAGCCCTGGGCGCACCTACAGTGAGTGCGGGCCCTATACGTTGG
>EP73472 (+) Hs RBM5; range -499 to 100.

CATGCTCAGTTAATTTTATTTTGTAGAGATAGGATCTCACTGTGTTTCCAGGCTGGT
CTCGAACTCCTGGCCTCAAGCGATCTCCTGCCTCGGCTCCCAAAATGCTGGCTTGTGA

GTGAGCCACCACTTCACGCACGGTCTCCTTTTGAAGTAGAATTAGACAATGTTTTACACC
GTGCCAGTGAAAGCAAACCTGACTCTCTACGGCGCTAGTAGCAAAAGCAAAGAATTATTA
ACATGCCTAATAGGAGCCCTAAAACTAATCCAGGTCTGCAAAAGCCGATCGACAACCTCT
GTAGTGATTTAGAAGAGAATTGCAAGACATTAACACAGAGCGTCTAAGTGACAGGATGG
TCTGGCGACCACATTTCCCGGCAGCCCTCGCACAGCCAGGCCGCTTCGAGGATTGGACTT
CTCCGCAGGAGGCGGGTGACAGGGGGAGGGGATAAGCGTGAGGTACTGTGGGTAGGAGAC
GGCCGTCGGCGGAGGCGCCATTTTGTGTAGCCGCCGAACCTTGTTGGAGGTTCTGGGGCG
CAGAACCGCTACTGCTGCTTCGGTCTCTCCTTGGGGTAAGTGCGGCGGCTGTCTGTAACG
>EP73473 (+) Hs SF3B4; range -499 to 100.

CCTGAGGGAAAACCAAAATACCTCCAGCCCAAATCAGGGTTGTGAGGCCAAATCTGCAAGA
AGGCTGCAGGCGAGAGGGAAGGCTCCCTCTGCGCCTGAAAGCCCCCAAGTCTCGGGTTG
GGGGGAACCTCTTCAGCACATCCTTCTCTGGACAACAGAAGAAGAATCACTGTCCACAAAA
TATATTAAACCTGAAATTTTTGTTCTTTTACGCTTTTCAATTTTACACTTTTGTAGAGCAGTG
TGATTTCTTTCAAGTCTAGCAGTGCAATTAAGAGGGCCTGAGCGTTTCCGTTCCGCCCTCCT
CGCTAAGACAACCTAGCAGCGGCACCTCAGGACGCGAGCCGAGGACTCTACCGCCGACCC
AGGTAAAGTTTCGAGGGCTCCTAAGATGGCTGCAGCCGCTTCCAGGCACCTCCTCTTCCG
CGGCCCCGACCACCGCTACGTCCGCTTTCGCCCCGGAAGTGGAAGTCGTGCTGAGGTCAG
AAGGCGGAACCGCTGCTGGGAGACGGCGGGATCTCTTTCGCCATGGCTGCCGGGCCGATC
TCCGAGCGGAATCAGGGTAACTGGAGGGGGAAAGTCTGGAATGGGCTCAGCGTGGCTAGG
>EP73474 (+) Hs SERF2; range -499 to 100.

TGTAAGTGAATTTAAGCGAGCTGTGAACAACCTCGTGCCAAATAAGTGGCTGAGAGGTGG
TCCTAAGTAAGCACAAGTTTAGTAGTAGAGTACTCGTAACACAGAAGTGGCTGAAACCCC
GCCCTCTTGTCTACGGGCGTTCTTTTCAAGGCGACTTTGTGAGTACCCCAAACCTGTCCCCG
CATGAGGTCACTCTGCACGGTCACGTGCTCGAGCCCGCGGAGCGCCACATCGCCAGCCG
CACCCCTCCACCCCAACCTGCCACGTGACCCGGCCTAGTTTCTCCAGGCCCGTCCCTA
CGTCTCACTCGGGAAGCCCCGCCACGCTGAGCGCTCCGCTGCGACCTCCGCCACTT
ACCCACCCCGGCTCAAGCACGACCCGCTGGATCCACGTGCTTTTTCTTGTCCAATGGGAGC
CGGCTCCCGGGCGCGAAGGGGCGGGGAGGAAAGGAACGACTGTGCTACGTTGCCAGAAGG
GGCGGGACCTGCAACGTCCGACAGAACGAGGGGACGTAACGGAGGCAGGTTGGAGCCGCT
GCCGTGCGCATGACCCGTGAGCACCGAGCCCCCTTCTCCTTGCCCTTTTCTTCCGTTCA
>EP73475 (+) Hs SGK; range -499 to 100.

CACCGCCGGCTCGGGTTGGGGAGGAGGGTGGGAGTCCGGCCGAGGACGGCGCTGGCCG
GGGAGAGGGTATCTGCAAGGACAGTGAGCGAAGCCACCGTGCGCGCCGACCCGCGG
GAAGCGCTTCGCGCGCTGCGAACC CGGCTTTCTCCGGCGCGGAATAAATGAGAGAGGTGG
AAAACCTACCCCGGGCTCTCCGGCCCTCCCCGCGCCTCCGCCGGCGGCTTCTCTCTCTCC
TGCCCCAGGAGCCGATGGAGACTGATAACGGCCCTGCGCCAGGCGTCCCCGGGCGGTCC
TCGCGCCCCCGCCGGGGCTCGCCCTCTCAATGGGGACAGAACC GCCCGCCGAGGCAGC
GTAGCCGCCAGCAAACCGCGAGGCGGGCGGGGCGAGGGGCGAGGCGAAGGGCGGG
GCCACTTCTCACTGTGCGCAGGCCCCGCCCGCGGCGGTGCCTTTTTTATAAGGCCGA
GCGCGCGGCTGGCGCAGCATACGCCGAGCCGGTCTTTGAGCGCTAACGTCTTTCTGTCT
CCCCGCGGTGGTGATGACGGTGAAAACCTGAGGCTGCTAAGGGCACCTCACTTACTCCAG
>EP73476 (+) Hs SR; range -499 to 100.

CCCTGTGGGCTGGCATGCCCTTCTGCGAGCTCTTAAAGACACTGCTCAGGTGTCACCGC
CTCTGGAATGCCACCCCTGGGGCTCCAGCTTGAAGTGCCTCCTCTCCGCTTCAGTCTG
GTAAAGGCGGGCCTTAACAATCGTTGAGTCCCAGAAGGCTTCACTTCCGGGCTCGTCTGC
TTCACCGAGCAGTGAGCTCGGGCGAGCCCGTCCATTCTGGGTCTCACTATCCCCACACCT
ATCCGTATGTAGAGTGGCGTAGCTAGGTGAGACCTCGCTGAAGACCCTGACATCTGCC
GCTGGGCGACTTGGCCCCGCCCTTGCCTCCCTTGC CGGCGACCGCCCCACTCCTCCGT
GCTCCCCCGAGGAAATGGTTCAACCGAAGGGCGGTGCCAAGGTGCCCGGGCGCTCCGA
TTGGTTCAGGGCGAGCGTACACACGGCGGTGGCGGGGAGCGCTTCGTGGGCGAGCCGCGG
GCTCCGAGGCGGTGAGCGCAAAGCCTCAGGCCCGGCTCCCTCCTGAGCTGCGCCGTGCC
AGGCCGCCCGCGGGATGCACTGGGCGGTGGGCGGCGGTGGGCGTGGGCCGCGCTGCTC
>EP73477 (+) Hs TAF11; range -499 to 100.

ATTGGATAAATCTGCTCGAGCTATATGACTTTTTGTTGTTAAGGTGCTTGCGGAATGGA
GGGGAAATGCTAGCAATTCTATGTACACAGGCCCGCGGTTTCGGGCCAGTTGAAATAT
ACAAGGTTGAGTCCCTTGCTGAAAGTTTACCAGTCCCGGGGAGCCTCATTCCACGACACC
GCCATACAACGGAACCTGAGTTTTCTCCAGTCCCCAACCTTACTCTGAGGGGTTAACGA
AGGGATTAACCTGACATTGCATTTTTAGACAGGCGAAAAGGAAAAAGTTATTTAGTAAACA
AAACTGCGCTCCTTCAAGTGCTGGTTTTCTAGCGAGGAGGATCCATAGTCTGAGCTCT
TTACGTCCAATTTTCCGCTTCCCACTGTGCGCAAACCAAAGTTAAAATGAGTCCTCTAG
TCCTCTACGCGCGCCTCAAAATGACCCCTCAGGAGAGCGGTAGGGGTGATGTCATCGCTG
CGCGACGACAGGAAGTAAGATCCTGGCCTGTGAGCTCGGGTTCCGAGCTTCTGCCTCA
GGCATCTCCGCGATCTCCTCTCCCTCCAATCCTATCCGTGATGGACGATGCCACGAGT
>EP73478 (+) Hs SLC35A2; range -499 to 100.

TCGTCCCCAGATTCCCGTGTGCTCTCCAGGGGCGAGGCCTCGCTGGAAGACGGGAAAGC

GGAATTTTCAGTCCAACCATGAAGCACCTGGTAGTTTCTGATACGGAAGGGCGGCGCCTT
ATGGAGAAGCTGCCAATAAAGAGCCGAGATGAAAGGGGTGGCTGAACCAATGAGTCTAGG
AGACAAGATCGGGGGATGATCTGGAAGCGCGATCAGTGAAGCGGACGAACGGCAGGATA
AGGCGGGTCTAGTGACAGGAATGGGCCGATGAAGCTCTGTAGGGATGGTGGGTAGGCCGA
TCGGGGCGTGTCCCGGCCTCCCGATCCGACGGAATTTGGAATCCCGGGGCTATTTCATA
CATTGAGCTTTTAGGAGCGGAGGAGAAAAGCCACCACCTGACGATCCCGGCTCTCGCTC
CACCTTCACTCAGGTGGCCCGGACGCGGAAGTGACGAACGCGGAAGTGGTTTTTCTGTTG
CCGAGGGGACGGGCCGGGCGAGATGCCAACATGGCAGCGGTTGGGGCTGGTGGTTCCACCG
CGGCGCCCGGGCCAGGGGCGGTTTCCGCGGGTGCATTGGAGCCGGGGACGCCAGTGC GG
>EP73479 (+) Hs CEPT1; range -499 to 100.

GAGTAGGGGAAACCAAGGAAGAGAACAGAAAGGTAGGGCACGGGGAGCTGAGCCCAGCTG
CACTCATCCCCGCCCCCGAAACCCCGCAGCTCCCGCCCCAACAGCCCCCTCTGGCG
CCTGGCATAAGGTAGCCCCCGGAGGCAATGAGGGCCAGCAGGAGTCTCGCGCGCCTGCGA
CGCGGGTAAGGGGGCTCCAGGCTGCGCCCACTTCCCGAGCTGCCAGATCCCACCCTCTG
ACGCACCTTCTAGAGGGAGCGGGCTGCAAGCGCTGGGGCTGTCCCTTCTCCCTACTT
CGACTTACCTTACCAGACCGACTAGCGCTGGCCGCTGGCGCCGAAGCCCTATGCTAAAA
GGAGACAGGGCTGGGGCACGGGCGCTCCCGAGCAGACCGGGCGGCCCGGGGCGCGC
TCACGGCACCGAGGAGCGCCTGCGGCGCTGCTCGTTCAAACCTTGTTCCTTTTACGG
CAATCGCGAAAGTGTCGTGAACGTGCTGCCCGCATCAGTCACCCAGTCGGCTGGAGTCG
GAGGCGATATTTCTAGGGGTGTAATTGTTGGGGTCAGGGTAAGGCTGCGGAGCGCGGTCA
>EP73480 (+) Hs MAT2A; range -499 to 100.

CACATGGCCGACCGCCACCGGCTCCCTGCCACCCGGCATCTAGAGGCGGGACGGCCAGAA
AGACCCAGCCGACGACAAAAACCTCCGCGATTCCCGCCGCTCCGCTGGGGGACGCGAC
CTCCGGGAAAGCTATCCCGGCCAACGGTCGGAAGGGAGGTGCCATGTACCCGCACAGGGG
AGCGGGTCCAGCAAGCCCCAGTCGCTTTTTCTCCACATCAAACAAGGAAGAGCAATCCC
CCACGTCTCCTCGCGTCTGCATTTTTCTCCTAGCTCTAGCGGCTCAAGATAGCTGAACGG
TCTCTGGAGGGCCGATTGCCACGGCACCTCCCGCGGCCGCGCAGTGTGGTTCAGCCCGG
ACTCCGCGGGGCGAGCTGCCCTTCTCCCCGACCCCGCGCAAGTGGTGCATTGGCGCG
CGGCGCCGAGGGGCGGGGCGGAGCCGGGCGCGCGGGGCGCTGCTCTATAAATACCGGG
CCGCACCGCCGCTGCTTCGTTGCTCCGCGCCGCGCCGCTGCTACGAGTAGAACGTGT
CCGCAGCTTGCAGATTTGCGACCGCTGCCGCTCGCCGCTGCTCCTCGTAAGGCCACT
>EP73481 (+) Hs CNN1; range -499 to 100.

AACTCTCCCATGAGGCGAGCACTAGTTAGCCCATTTTACAGATGTGGCCATAGAGGCC
CAGAGAGGAGAAGGGGCTTACCTAAGGCTATAGACTGTTGGTATCTGGAGATAAACCCGG
GATGGTGCTCACTAAACTACCTTGGGTGTGAGTCTGCTTCAAGACTCCAGAGAGATAAA
GAGAGATGACCTCAGAGACAAAGAGACTCAGACCCAGCCAGAGGCCCAATGGACAGTGGG
AGGGGTGGGTGGAAGAAGGTGGTCTCTGTCTGACCAAGCCCCCAGAATAACGCAGGC
TGCCCCCTAGGTGGAACAATGACACAATCAGCTCCCAATACCAAGGGCCTGACATCAC
AAGGGGAGGGGAAGGCAGCTGAGGTTGTGGGGGAGGTGCCCCGCCCTTGGCAGGCCCC
TACAGCCAATGGAACGGCCCTGGAAGAGACCCGGGTGCGCTCCGGAGCTTCAAAAACATG
TGAGGAGGGGAAGAGTGTGCAGACGGAATTCAGCCGCTGCCTCTGTTCTCAGCGTCAGTG
CCGCCACTGCCCCGCCAGAGCCACCGGCCAGCATGTCTCTGCTCACTTCAACCGAGG
>EP73482 (+) Hs CSE1L; range -499 to 100.

GGTTTGTGGGCTGTAATAAGAGTACCAAACTTACATACCAGGCCAGGCGCGGTGGCTCA
CGCCTGGAATCCCGAGATTTTGGGAGGCCAAGGTGTGCGGATCACTTGAGGCCAGGAGTT
CGAGACCTGTCTGGCCGTGTCTCCCTCTAAATAGAAGTCCAAGAGGGGCGAGGAAGTTC
TCTTCCGTCTTAGACCCTATGTGCACGACCTTGGATCGATCAACATTGAACACCTCTAC
GTGCCAAGCCCTGACATCAAAATGGGTGAGAAGCCAGCAGCCGCTCGCTGAATCTGTGTT
CCTCTTTGGAAGGAGAGAACCGTGAAGCCTGCTGGCATGGTCAGAGCCAAAGAGCATTGT
CACTTGTGAGATCAGCGCAGAAACAGAGCGGGGCCCGATTGGCCCTTCGAACCTTGGGTG
GGGCCAGAGCATTCTGGCCCCGCCCTGACAGCGGGCCGCTCGCTCATGCGCTCTGGCC
TCAGGCTCGCTGTCGCGCCATTTTGCGGGGTTTGAATGTGAGGCGGAGCGGCGGCAGGA
GCGGGTAGTGCCAGCTACGGTCCGCGGCTGGGGTTCCCTCCTCGTTTCTGTATCCCCAC
>EP73483 (+) Hs APOD; range -499 to 100.

CCATTAGTGGAGTCAGGAACCTCATGTTCCACTTCAGGAAATGAGCTTGTGATTTTTCA
TTTACACAAAAATGAAAAATAAATACCAGATGTTTGAAACATGTTGCAACACGTCCTGC
TGGAACCTTAAAAGTGCATTCTGACCAAAAAAATTAATTAGAAAATCCACATAGCAAAAA
AAAAAATGTTTTGGATGAAAAATATACTTTATCTTTCTCTCACACATACTCTCTCTCTC
TCGCACACATACCCACACACACACACACACACACGCGCGCGGAAAAACAATATCTC
ATTTCTTCTTCAGGGAGCAGCTGTGAAGGAAATCGGGGGAGGAGGATGGACACAACATCC
CATCTTTGTGTTTCGATACAGACTAAGCTTTTAGGCCAACCTCCTGACTGGATGGGGG
GGCGGGCGTGGCATGCATGAAAAGTAAACATCAGAGACCTGAAGAAGCTTATAAAATAGC
TTGGGAGAGGCCAGTCACCAAGACAGGCATCTCAAATCGGCTGATTCTGCATCTGAAAC
TGCCTTCATCTTGAAAGAAAAGGTATGTACTGTAGTTTTAAGCTTTTCATTTATGATAAT
>EP73484 (+) Hs CTRB1; range -499 to 100.

ACAGGTGTGCGCCACCACGCCTGGCTAATTTTTTTGTATTTTTAGTAGAGACGGAGTTTCA
CCATGTTGGCCAGGATGGTCTTGATCTCTTGACCTCGTGATCCATCCGCTCAGCCTCCC
AAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCATGCCGCGCTGCCAGGGGTTTTCAAACC
ATGAAAAGATCAAGTGAATTTCTTGAGAGCACAAGAGACTCAGCTGGGGCTCAAACCCG
GGGATGCTGGACTCAGCCCTGGAGGCCCTGCCAAGCCTGGGCCTGGAGGAGAAAGGC
AATGGTCGAAGGCCACCTGGGTTAGCCCGCTCAGCTAAGGCCACAGCTGCTGCCATCCC
AGGCTTCTGGCCAGCCCTGCACCGACACATCTTGCCCACTCCCAGGGAAGGGATTATCG
CCCCAAGGTCTCCAGATAACAGCAGGCACACAGGGCTATAACGGGGACCGGCAGACAGGC
GTCCTACACCCCTGCCAGCGCACCATGGCTTTCTCTGGCTCCTCTCCTGCTGGGCCCT
CCTGGGTACCACCTTCGGTGAGTGCCAGGCCTGCGGAGGCCGAAGGGTTTTCTCTCTC
>EP73485 (+) Hs BNIP3L; range -499 to 100.

TCGACATTTTAAAAATTCTGTAACAATTAATTTGGGGGCGGCCTTCCCTTGTTCCTCGT
ATGGAGTGTTGATGTTTCAGCAGCTTTATTTGGAGTTTACACGTGGAGGCACCTGGGTTT
GGGGATTCTTTGTGTCCCAAGACACCTATTGCAGAAGTGAGTCTAAGAGGTAGAAAA
CAGATGCGTGCGCAGGGCTGGGTGAAGCACTGTGGAGCCTGTGTGAGAGGAGGCACGGGC
GCGAACACAGGAGCGCACTTCCTCATTCCGTTTCTCCTCATCTCTCCCACTGCCACT
GGCATCACTATCCCACCTCGGTATCCCAAGTCACACGCAAGAGTTCGTTCCCGGCGCGC
GCGTCAGCCTGACTCGAGCTGTCCACGTCCGGGGCCCGCAGGGGAGCGCCCTGCCCG
TCCGGTTCGTTGTTGTGTTGTATCACGTGGCCTGGGCGGGCCCTGACGTGAGGGGAGG
GGAGGGACGGCGCAGGCGCAGAAAAGGGGGCGGCGGACTCGGCTTGTGTGTTGCTGCCT
GAGTGCCGGAGACGGTCTCTGCTGCTGCCGAGTCTGCCAGCTGTCCGACAATGTCGTCC
>EP73486 (+) Hs BST2; range -499 to 100.

TCACCACAGAGACACCTGAACACAAAAACAGTCCCTGGGGTCAGACCCAGGCCCGCCCC
CCAGACCCAGGCCCTGCCCTACTCCACCACGCAACTGTGCAACCTCAGTTTCCCCAGGT
GGAGACCGGACCAACAGTGATGGCCTCTGCCTCTTCAGGTCATAGTACAGATGAATACAG
GCTGGCACGGCTAGGCACCTAGTAACACACAGCAGAGGCACAGGGACTTAAGATGGAGT
GTCCCAGGCAGCCACAGTTGGCTGGCACCCAGCTGGGAAGGGCCCAAGGGCTTTAAAGC
AGGGTGAAAAAAAAGGCCACCTCCTTTCTGGGAAACTGAACTGAAAACCTAATTAATCC
TCTGCCTGTAGGTGCCTCATGCAAGAGCTGCTGGTCAGAGCACTTCTGGAACCTTGCTAT
TGGTCAGGACGTTTCTATGCTAATAAAGGGGTGGCCCGTAGAAGATTCCAGCACCTCC
CCTAACTCCAGGCCAGACTCTAAAGGGGAGATCTGGATGGCATCTACTTCGTATGACTAT
TGCAGAGTGCCCATGGAAGACGGGGATAAGCGCTGTAAGCTTCTGCTGGGGATAGGAATT
>EP73488 (+) Hs CCNG1; range -499 to 100.

GATAAACCAACCAACCATATAAATTCCACCACCTCTTTATCTGTAATTAATAAATCAAAGG
TTGACTTTTTTTTTTTAACTACTACTGTATTTTTAGAAAAGATGGGGCAGAACCACTGT
AGAACTCCTAAACCCACAGAACAAACAGTACATTCTGGAATGATACGCCGCAATCCG
GCTGGCAGCCGATTGACCTGACCCAGGCGAGGGTTGCTGCACCGAGTATTTAGTTTGCC
CCCTACTGAATGAAGACACTTTGTTAAATTCTCCAATGAGAGACGCTTAGAGGTAGGGGC
GTGGAAGGGGGCCGGGAATTTGAGGCCAGATAACGGGAAGTGTGAGCCGATTGGCCGGA
CTTCTCACTCCACGGCCAGCCGTTTACGGATCGCGGAGGCCATCCATCAAAGAATTAC
ACCAATCAGCGGCGAAAATGCCCCCTTCTCGCGAGAAAGCCCCGCCCTCCAATATATTCC
TCGTTAGGGCAGGCGCGGCCCTTCGGCTCCGAGCTGACCCTGATCAGGGCCGAGTTGTC
TCGGCGGCGCTGCCGAGGCCTCCACCCAGGACAGTCCCCCTCCCCGGGCTCTCTCTCT
>EP73489 (+) Hs FARSL; range -499 to 100.

GGTTAGGTGCCACCTTGACTTACTAGGTGAATTCCTTTCCCTCTATAAAAAGGGACGGT
ACCTACCCAGCCTTCCTTTGAAATTTTAAAGTAGCTGACATCGCCAAAATGACCATCTC
TGGAGCCCACCACCCACCGCTCTCCTAGGGCAAGAGAGAATACCAGAAGGGCAGAGGGT
TCTGTAACCCAGAGACGGGGAAGTCCAAGGTCACACAGCCCGCTCGAAGTGAGGCTAGAT
AAAACTCAAAACAGGGCGGTGCTTCTGACCTTGAGATAATCAATTTTACCCTCTGGTCA
ACCAGACGCCATTGATGGAGGCCAGGGTGGAGGTGGGAACAGTCCCATGCACCTTTTGC
GGCTCCGTCGCCCACTCAAGATGACGACACATTGAGCCCTGTTCTACAGTTAGACACAT
TCAAGATGGCGGTACACACTCCGGTTCCGGTTCCGGTGGCTCAGTCCCCCGCCACCC
GGGCCCCGACACGCTGAGCACACTGGAAGGAGTCATGGCGGATGGTCAGGTGGCGGAAC
GCTGCTCCGGCGGCTGGAGGCGTCTGATGGCGGCTGGACAGCGCCGAGTTGGCGGCTGA
>EP73490 (+) Hs GBP2; range -499 to 100.

TCTCTAAAAAATAAACAAATACAAAATAAGAATACAATGGTATGATTTATATAAAGAAGT
TATCACTGTGTCTGTATCAAGTGTGCCATAAATGAGAGTTACCTTCATCATTATTTATTA
TTTATTAAATGTTAAGTGTACAGGACCTGGGTTAGGTGCTGATAATCAAAGTATATAAG
ACATAGATATTCCTCAGGGCACTTAACAGTGCTCAAGCTAATATTCAAGGTAATTGGAC
CTAAGAAAATATTATATGAGGCTTTCTCATCCACATGCTTCTCAAACCTGGCCACAAACA
TGAGATAAATAGCACTATTTTAAATGACCCAATGAAGGGGTTTTTAAACTTAATATAGC
AAGCAGTCTCTAAGATCTTTTCCAATGATAAAGTGGAAGTTCTGTTGAGAAATCATG
ACAAACCCCTCTTACCAGCACAGCTGTCAACAATTCCTTTTATGGTGAATGAGTCACTGCT
TTAGTTGATACTTTGTTTCATATTAGTGCAATTTCTTTGAGAGGTTACCTTTTTTCTTG
TCTCTCGTCAGGTCTCTGACATTGACAGAGCCTGGACGTTGGAGGAAGCCCCAGGACGTT

>EP73492 (+) Hs ILK; range -499 to 100.

ATCTTCAGATCAGGACTCGCCCTTAACGGTGCCACAGGTGTCCCTCCCCGCAATACACAC
AGCGCTGGGATCCACCAATGTCCGCTTCGCGGCTGAAACAGCTCCCATTGCTCCCGCGA
GTCACTCACCTTGTGTTTTCGAGGAGGCCGAGGCGGAGGTCTGAGATTACGGGCCCAAG
GCCCGCGGCTACTGGGGCCGCTCGGCCACTCAGGCTCTTCAACATGAGGGTCGGGAG
GGCAGGGTCGCCGAGTCCCGCTCTTCTCCACGTGCACAGCGCTCCTCTGGAAGTCGGAG
CGCTCAGACCTGCCAGAACCACCCGGAACCAAGCGTGACAGCCAGGGGTTGCTAGAG
CGGCCGGCGCGCGCAGCGAACCATCGAGTTTAGCCAGGCGCGGCTAGAAGGGCAGGGAG
GCGGTGGGAGGGGAGGGACGGAGGCCCGCGCTGCCAAGAGCGCCACGGGCGGGGCGGGG
CCGGCGGGCGGGCTGCGGGCGCGGCCGAGCGGAGTTCCCGGAGAAGGATCCTGCAGCCC
GAGTCCCGGTGAGTGCGAGAGGACCCGCGCCCCCTGTACCCCTCACTTCTCCTGAGTCC

>EP73493 (+) Hs SDHA; range -499 to 100.

ACATTTTACAAAGTAGAGTCACTTTAAGTTTGTGTTTACATGTGACCTCCACAAACACACA
CAATTACAAAATAGTTTAGTTAATCAAGGGATGTATAATAAACAAGAGGTCGGAGGCCCC
GGGCCGCTCCCGCCACCTCCGCGGACGAGCGCCCCCTCCGACCCCATTCCTGCGGTC
TGGGCGTTTCAGGCCCTTCGGTCTGGGCGATCCCGGAGAACCACCCACGGGGCTTTAAAAA
TGTTGGTGCCCAACCTCCCGGAACAGGGCCCGCTCTACCTCGGTGCGGGAGCGCGGG
ACCTCAGCGTTCCCTTAACGCGACCGTCCGCGGGTCCGCTTTGCGCAGGCGCGGGCGCCCC
CACTCAGTACCCGCTCCGGGCGTGCGATGGTGCGCAGGCGCGATGTCCCCCACTGCAGCC
CCGCTCGACTCCGGCGTGGTGCGCAGGCGCGGTATCCCCCTCCCCGCCAGCTCGACCC
CGGTGTGGTGCGCAGGCGCAGTCTGCGCAGGGACTGGCGGGACTGCGCGGCGGCAACAGC
AGACATGTCGGGGTCCGGGGCTGTCGCGGCTGCTGAGCGCTCGGCGCTGGCGCTGGC
>EP73494 (+) Hs CNB2; range -499 to 100.

TTATCTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCCTTACTTGAGAATTTGGGTTTTTGAGTAAACGCCAT
TATTCTCTCTTTTTTTAAGCACACTTTTGATCTCAACCACCTAACACACTGCATCCCTG
AGCAACCCGGAGGGGCCGGTTCCTGCACCCAGGCCAACACAACCTAAACCCCAACACACC
AGAAGAGGAATAAAGGCCAACCAACTTCCGCCACCCACTACAAACGTCGAGAGAAATTC
GTAGATGAGGCCTTGCAAAATTCAGAGGCGTCTACGTCTGCTTTCCAATGAGACAGT
TCCTTTTTTGTGTTCTCAGAGACTGGGGTTTTTTTTTTTTTAAAGACTGTAGGCAGAAA
AAACACCCCAACCGGCTGTTGTGACAATCAAACGTGTCTAAGAAAATTCAGCCAATGAGA
GTGCGAGAGTGATCTTGTGTTGGCCAATGAGAACAGCGACCCGTGCGCAGGGCCGCCCA
ATGGGGCGCAAGCGACGCGGTATTTGAATCCTGGAACAAGGCTACAGCGTCGAAGATCCC
CAGCGCTGCGGGCTCGGAGAGCAGTCTAACGGCGCCTCGTACGCTAGTGCTCCTCCCTTT
>EP73495 (+) Hs SCYE1; range -499 to 100.

TGCCGCTACGGCTTAGTGACACAGCGCTGCATTTAGGTGCTCTACAAAAGAGGCCAC
TCCTGGAACGCCGGGAGCTCAGACGCTGCCCTTTGCTCGCGAGCCAAGTCAGCCAAGGTT
AACCTTCGCGGAACCCGGCGAGGAGCGCAAGCCTGGCCTTCCCCAAACACAGATCCGAGC
TTTTACCCTCTACCCTCCCTCAGCCTGGCCTTTTCTTCCGCCCTCACAGCCACCGCGA
CCCAACGCTGAGGAAAGACCCGACTTGTGGTGTCTTCCCCTTGCCAAACTGGCCACG
AAAGGACATATAGCGAGAGAGAAAGAGGTGCGGGGGGACGGGGGGGTGATTGAAAATA
CTGGGTGAGGGAATGGAAGACGAGGAGCGTGGTATGGCAGGTTAATGGGACTGAGCACAG
GAAGAGGAAGAAAGAATTGAGGGTTGAATCTGTAGAACACTCAGGCTTTCAGCAAGGACA
CCTCATTGGGTCTTTCTCACTGCTATAGTACGCGGGTGGCTGGACCTACATGCTTCCTG
CTGTGGCTGTCTCGGAACCCGTGGTCTCCGCTTCATGTGAGTGACGTCGTGGCGGGTCA
>EP73496 (+) Hs VAMP3; range -499 to 100.

GGAACCTCACCAACACCATGTGACAAATACCCGAAATGGACTTCCTATTTCACTACTT
TAGAGAAACATGGTGCCCTCAGGATCACTAGGTTACTCTGGAACACTCAGCAGAAGCCAG
TCATCTGTCTTAATACTGTTAGAAATGGTCCCGAGCCAGAATAACATGAATTGCCCC
ACCTCACTTATCCACGCACTCCCTCGCAGTGGCTAATGCACCACGTTTACAGACCACG
TCCCCAAGCGTCAGCGCGGACGGCGGTGCGGACAGGGAGCTGTATTGACCTGCGTTCTGC
GTTTCAGAGCCCGGACCGCCTGGGACCCCTGTGGCCCTCAAGTTCCCAAGTGACCTCGT
CCGGGGAGGGGACGTCTCGCTCTGACCCCGCCCTGGACGCACCCACCCACGACGCCCCG
CCCACTTCCGGCGCGCCCCCTCTTCCGCCCCGCCCCTCCCCCGGCTCCGCCTAGTGACGT
CTTTGCCCCGCGCGCGCCGTCCACCCATCTCCTGGCCTCCGGTCCCAACTTCGCTTC
TCTGCTGACCTCTCTCGTCGCGCTGCCGCCGCGCAGCTGCCAAAATGTGAGTGACGC
>EP73497 (+) Hs GSTO1; range -499 to 100.

TTGACTCTTCCCTTTGGCATAGTGAGTTTGGAGTCAAGAGATTTTTATTTTCCCTTCACA
AGCTGAACAGGAGCCTTTGGAGAGAACGCTCTGGACCGGTGAGTGAGCCATGAGGTGCGG
CCACAGGCTCTGAAGTCGTGAAGCCTTGGGACGGAGCGGGTGGTGCTTCGAGGTCAGTGT
CACGGGAGGGAGGTGAGGTGAGGTGAGGTGAGCGTGGAGCCCCGTGGAGTGCGGAGTGGTGA
CCCCTTCTGTTGGGGGGCGGAGGGATGACTGAGCATTTATAACTTTTGTGTATCTCCCCGT
GGGTGCAGCCCTTGCCAGCGAGATGCTTTGACACAGCCCTTAAGATGTTTTAAGGGCT
ATCCCATAAAGCCGGAAGGCACAACGGGTGGAGTGGCGGCCGCCGGGGGACGGCACTT
TTGAGCTAAGGAGGAAGCGGGGGAGGGAAGGAGGGCGGGAAGGACGCGCCACCTACTTCC
TGAATCCCTGCAACCCAGAGGAGCTCGGCCTGCGCTGCGCCACGATGTCCGGGGAGT

CAGCCAGGAGCTTGGGGAAGGGTGAGGCCCTGCCCCGCCGGAAGAGGGGGTGATCTCGGCG
>EP73498 (+) Hs PLS3; range -499 to 100.

CACCCCTTTGGCACCTGGACTGATTGTTGCAGATGTAATTAGGAATGTTCCCAACATGCC
GTTATTCTTCTCACGATTCTGGGAGAACTGTACCCCTCCCCATAGACTTATATAGGTG
GCATTCAAATTCTTGTTCCTCACTTTTTCATCTGTTTATTAATCCACAAGATTGTGTGA
ATGTGTACTCCGAGCCAGGCACGTTGGACTTCTAACTTCCTCTTAGCCCAAGTAGGAAGG
GGAGACTCAGGCGCTGGGGACCATTCTCCTCTCCCTGCAGCAGAGTTGCAGTCCCTATCC
CTCCTGGGTGCCATCCCCGTGCCTATTTTCTGGATCCCCACCCAGTTGATGTGACAGG
CTCGTGGCCCAATCCCCTTCTGTTCCAGGCCGACTGCTAGCACCACCCGAGCCAATG
GCGGCGGCCGAGGGGCGAGGGGGCTGGCAGGAGGGGAGGAGCGCTGGCTTTAGAGCCA
CAGCTGCAAAGATTCCGAGGTGCAGAAGTTGTCTGAGTGCCTGGTTCGGCGGCAGTCGGG
CCAGACCCAGGACTCTGCGACTTTACGTAAGTGCTTTGTAGGCGCCGGCGGGCACTAGGG
>EP73499 (+) Hs CAPZB; range -499 to 100.

GCTGGGTTGGGCTGGGTTGGGCTGGGCCGGGCCGGTCCGCGCTCGGCGGCAGTTCCGGGT
GCGCCGACAGAGTGAGCGCGTGACGGGGTGGGGCGCGGAGGGCCGGTCCCCTCCAGCC
GCGGTGCCTTCCGCATCCCCGCCCGGGGACTGTGGGGTGCAGTTCCCTCGCCGCCACT
CGCTGCTCAGGCCCCAGAGTGGGGACTGGACCTCAGACAGCCAGGAGACCTTTCCGCC
CGCCCCGCAACCCGTGCCGGGGACTCCCCGGCAGCCGCGCGCGCAGCGCCGCGCCCCGCC
CCGCTCGCAGGCCCGCCCCGACCCCGTCCGCGCCCGCTCTCGCGCCGCTCTCCAT
ACTTGGCGATCGCCGACGCCCGCGCGCTCATTGGCCGCGAGCTGGCGGCGTGGGGGGCG
GGCCCCGGGCCGGGCCGGGGCGGGGAAGGAAGGTGGCGGCGGCCGCGCGGGGGAGGGG
GGTGTGACCCGGATGTTCACTCCTGGGCACCCGGGGAAGTGGAAGCGCCGGGCCCTGCT
GCGGGGGGAGAGCCACTGACGCCGGGACCGGGACCGCCGCGCCGCCACCATGGTA
>EP73500 (+) Hs CCNC; range -499 to 100.

AGAGCAAGACTCCGTCTCAAAATAAATAAATAAAGTAAAAAAAAAAGGAACACT
TGATCCCTGAGAACAAAGTCATCTTCAATTTATTTCTTTCCAATCACAGGAAAAAATAG
TCACAAAACCTTGTACTTTATTACAATGCCACATTGTTCTGTTTTGAAGTCTGGAAGA
GGTAATAACAGAACCCCGTATCTGAGCCACTTCGCTAGGTTAGACCCACTCAGCAACTC
CCGTGCTGAAGACAGGAGACCGAGCGGCTTGGGCCCCCGGCCAGAATTCTCAAGACGCTC
TCGCGAGAGCCTTCAACCGCCGCGAGCTCTCGTGAACACTAGTTCTTCAATCTCAGC
ACCTCCAAGGGTCAGCACCTCCCCTCCGGCTCCCTCCGTACCGCGGGCCGGAACTTTG
TCGATAGGAACGGGTTTGACAGTTGAGTGTGTGCGCCGGCGTGAAGGAGACTAGGGGG
CCATCCTCTTCTTTCCCGCTCGCCGCCGCGAGCGGAGTCGAGCCGAGCTGATTTGATC
GAGGAGCGCGTTACCGGACCGGCTGGGTCTATGGTCGCTCCGCGGGCCGCTCCGCCGCG
>EP73501 (+) Hs FOSL1; range -499 to 100.

CCACCATTTTGTAAACCTGGTTTGTCAATTTATTCATTTTCAATACTCGAAGCCTTAA
AACAGGCCAGTGGAAGACCTCACTCCACGAAGCTTTGGGTGGCGGTTGGCGTGGCTCC
TAGAGATGTGATTCTTTCGTGCTATTTTGTGGAGCAGAAACGGAGGTTAGCCAGGCCT
CGAGAGGGCTGGGGCGGGCGGGGCTCTGGCAGGTGCGTCAGTCCGACGGGGAACCCGG
GGCTCCACCTGGGCGCGGCGAGGAAGTTACACCATGTATGGGCAGCTACGTGAGGGGGC
GGGCCCCGAGCCTCCGGGGAACGCCGAGCCGGGCCATCCCGGTGAAAAGGCTGCAGCCG
GACTTGGGGAGGCGTCGCCAAGTTTCGGGACCGACGGGCCAAGGCGGCGCTCTCGGGGT
GGAGCCTGGAGGTGACCGCGCGCTGCAACGCCCCACCCCCCGGTCGAGTGGTTCA
GCCCCGAGAACTTTTCAATCATAAAAAGAAAAGACTCCGCACGGCGCGGGTGAGTCAGAAC
CCAGCAGCCGTGTACCCCGCAGAGCCGCCAGCCCCGGGCATGTTCCGAGACTTCGGGGAA
>EP73502 (+) Hs TOM1; range -499 to 100.

TGCGAGCAGGGTGACATCTTGGAGCGGGGAGACCTTGACATCAAACAGGAAGAGTCTTACC
GGGACAAGGAGACAACAGCCAGAGAGGCTGTACCCAGGGTAGGTGTGAGTCACAGTG
AGGTCCCCAAGGACTAAGGGCTATGACCTAAGAGTCTCGGCTTCTGTGTAACACCCAA
GTCACTTCCCTGGTCTACGACCCAGTTTCCCAAATGTGTAAGGGTCTTTAGACCTCGC
CCTAAAAGGTGAGGGCGTGGCTTAAAGAGGACCGCGCTTCCCGGGCCCCGACCCAGAC
CCTACATCGTGTGTGACGCCCGCCGCCGCGAGCAAGCCGAGTGAGGTCATCGCCCTCC
GCCTCGGGGGCGGGACCTGGCGTCTCAGGGCGGGGCTTGTGGTCGAGCTTCGCGGTGCC
ACCGCCCCGCCCACGCTCTCGCGGCCCTCCGAGTGCCTACGTGACGGGTCGGTGGCG
CTGGCGGTTGTGTGAGCTGATTCCCGGGGTTGGTGGCAGCGGCGGTAGCAGCAATGGAC
TTTCTCCTGGGGAACCCGTTAGCTCTCCAGTGGGACAGCGCATCGGTGAGTCCCTGGAG
>EP73503 (+) Hs LDHA; range -499 to 100.

TGGTAGGCTTAGCAGCAGAGGAAAAAGCAGCGTCGAGTTTTGGAGGTCACTCGACTTAGG
TAAGAACAGACTGACTGACTGCTAGGCATTTTCTTCTTTCGTTCAACAAATATTTGTGG
AGTGCCTATTACGTGCCAGAAGCTGTTCTGGACACTGAGAAACAGGGATGAAGAAGAAAC
AGATCCAAGCCTTCTGAGAGTAACCTCCCCAGGTTTCTGGATGAGGAACTGAAGGTC
GTCCTGACTCAGGCTCATGGTCCGACCCCGGCTTCTGTGGTTGGAGGGCAGCACCTTAC
TTAGACTCCCAGCGACGTGGAGCAGTCTGCCGTCGGTTGTCTGGCTGCGCGGCCACC
CGGGCCTCTCCAGTGCCCCGCTGGCTCGGCATCCACCCCAAGCCGACTCACACGTGGG
TTCCCGCACGTCCGCCGGCCCCCCCCGCTGACGTCAGCATAGCTGTTCCACTTAAGGCC

CTCCCGCGCCAGCTCAGAGTGCTGCGAGCCGCTGCCGCCGATTCCGGATCTCATTGCCAC
GCGCCCCGACGACCGCCGACGTGCATTCGCGTACGGTAGGGCCCTGCGCGCACGGCG
>EP73504 (+) Hs BNIP3; range -499 to 100.

GCACGTCCTACGCCCCCGACGGACGCCGCGCAGCCCCGCGCCTCAGTTTCCCCACTAG
CAGGATGGAAAGACGGGCCCCGCCCCGAAGCGTAGCGGCGTCTCCGTGGTAGCCAGTGCC
CAGAGAGTCCGCCGGTCCCACGCCCCCTTCAAAGGAGAACC CGGCCACCGCCGCGCG
GCGGCGACCGCGCAGCCACTCGTCACGCGGCCGCGGCGTCCAGCCGGGCGGCTCAC
CTCAGGCGGTGCTGCCGCCCTCGCGCCTGCGCGCCCCCTGCCCCGCCCTCTCCCCGCC
CGCTGCCGCGCACCGCAGGCTCTGCCCTCGCCACCGCAGGACCCGCCCGCGCACG
CGCCGCACGTGCCACACGCACCCACGCCCTGCGCACGCGCAGGCCCAAGTCGCGGCC
AATGGGCGACGCGGCCGAGATCCGCCCGGCCCGCCCTGCCCTGTGAGTTCTCCGGCC
GGGCTGCGGGGCTCCGCTCAGTCCGGGAGCGCAGTGGGCGCGGCGCTCCGACCTCCGC
TTTCCACCGCCCGCAGCTGAAGCACATCCCGCAGCCCGCGCGGACTCCGATCGCCGCA
>EP73505 (+) Hs RBM3; range -499 to 100.

ACATCATGGACTGTGAAGGGTGATGACATCAGTGACGGTGGGGGATAAAATGTCAGGCCT
TTAAAGGGTATGAGGTTAAAGAACTAGAAGGTGAAGGAGTTAACATCAGAGAATGGCAG
GGACCTAGAGGAAGACGACTACGATGGTGAGGAAGACATCCGATCCAGCGGGGAAATGA
TGGAAGGACGGGAGGATGATGTACGGGACAGCAAGTAGTATGAGATTGAGAAGGTTCTT
TTGTGGAAGGGATAAAGGCAGCTCAGCCGTTGTGGGGGGATGCTGACGTTTAGGGTGC
ACCAGCTGTTCAAAAGTCGACCCATTTCCGGAAACACCCATTTCCGGAAACACCCCAT
TTCGCGGAGAACACTGCTCCCTTCGCTTTGCTGTCCCTTCTCTCCCACTCCGCTC
CTGCTGGCCTCAGCCAATCAGCACGCACGCCGGGACGCGCAAGGGGAACGTTCCGGGACG
TTCTCGCTACGTAATCTTTATCAATCGTCTTCCGGCGCAGCCCCGTCCTGTTTTTTGTG
CTCCTCCGAGCTCGCTGTTCTCGGGTTTTTTACGTTTTAATTTCCAGGTAAGTTGCAT
>EP73506 (+) Hs EIF4A1; range -499 to 100.

TTCTCCAATCCCTGGGTCACTTTGCTCTTGTGCACGCTTTCAGTCTTTCAGCGTAAGC
CAGAGTCATTCCCAAGGATGTGTTTTCTCTTGGGGGAAGAGCTGCTCTGTGATGGAGC
CCATGCGTGTATCTGAGCCTCTGGCTTCCTGCCAGTGACGCCCTGGCAGTGCTCTACT
TCCCAGGGCTGTTGTCTGCCTGGCGGGAAGGTCTGGGCAAAGGATCAGTCTTTGTACTC
TGAGAGCAGACTACTTGGCTCCTCTCTGTTTTTATCAGCGAAGTTGGATATATCTCTCC
CACATTTCCCTAATCATATGCTATATATTGGCTTTTTTTTCTTCTCTAGCCCCAAATA
CATCAAGATGTTTGTACTGGATGAAGCTGACGAAATGTTAAGCCGTGGATTCAAGGACCA
GATCTATGACATATTTCAAAAGCTCAACAGCAACACCCAGGTGAGGGCAGTCTTGCTGA
ATAGTAATGATTCTTGAAAAATAGTAAGTGCCAGGGGAACCATATACTGGATTCTTGAG
CCTTTTTATGCATCTGCTTCAAGTTTGTGGTGTGGCTAGGGGAAGGAGCAGGCCTCAGGAA
>EP73507 (+) Hs ENO1; range -499 to 100.

CTCTCGGATCGCGGCGGAGGCGAGGGGCGGGGCGAGGAGGGCCGCGGCGAGGCCGGGC
CGCCAAAGTTGTGAGCAAGGTGAGGGCCGGACGTGGGGCCCCAGAGCGACGCTGAGTGC
GTGCGGGACTCGGAGTACGTACGGAGCCCCGAGCTCTCATGCCCGCCACGCCGCCCGG
GCCATCCCCCGAGCCCCGGTCCGCACACCCAGTTCCGGCTACCGGTCTATCTGGGG
CCAGAGTTTTCGCGCGACCACTACAGGGCCGCTGGGGAGTCGGGGCCCCCAGATCTGCC
CGCTCAAGTCCGCGGGACGTACCCCCCTTCCACGCTACTGCAGCCGTGCGAGTCCCA
CCCCTTTCCGGGAGGTGAGGGAATGAGTGACGGCTCTCCCGACGAATGGCGAGGCGGAGC
TGAGGGGGCGTGCCCCGGAGGCGGGAAGTGGGTGGGGCTCGCCTTAGCTAGGCAGGAAGT
CGGCGCGGGCGGCGCGGACAGTATCTGTGGGTACCCGGAGCACGGAGATCTCGCCGGCTT
TACGTTACCTCGGTGTCTGCAGCACCTCCGCTTCTCTCCTAGGCGACGAGACCCAGT
>EP73508 (+) Hs ANXA4; range -499 to 100.

GGAGGAAC TGCGAGGTGGCCCGGCTCGGCCCTCCGAGGGTGTGGAGCGCCCGGGAAC
GGGACCCCAAGAATCCAATGCTCCCACCTGCGCGGCCAGGAGCGGGGCTGGCGATACT
GGGGACACTGTCCAATCCGGGCGAGGGGCGAGGCGGGGGACCGGGCGGCGCTGGGGAGC
AGGCACGTGTGGAGGGCGGACCCGCGGGGTCGAGGCCTGCCTCTCCGAGAGCTCCTGG
CGCGGCCGTCCCGGCCGGGGCCCCAGGTGCGCTTCCCTAGAGAGGGATTTTCCGGTCT
CGTGGGCAGAGGAACAACAGGAAC TTGGGCTCAGTCTCCACCCACAGTGGGGCGGATC
CGTCCCGGATAAGACCCGCTGTCTGGCCCTGAGTAGGGTGTGACCTCCGCAGCCGAGAG
GAGGAGCGCAGCCGGCTCGGTACGAGGGGTAAAGGGGCTCCGGGCCGGGGTCTGGG
CTCAGGGAACGGGAGCGTGGCCGGGAGCGTCTCGGGGGATGCCGGCTCCGCGCTGC
ACCCAGAGTGGGTGCTCGCCGCCGGCTTGCGGGCAAGCCGGGCGGCCACAGGGTGGAG
>EP73509 (+) Hs CTSB; range -499 to 100.

CGCCACCCCAAGCTCTGCAGCGGCTTCTGAATGAATGAAATAAGCGACGGCGCCCTCTC
CACCACCCCAACCCCGCAACTCGGCAGGCAGGGATCCAGGCGCGGGTTCTGGCGGAGG
CGGTCCCGCAGGCGGGGGGACTTTTCTAGGCGGGGTGGGGGCTTGGGACCACTTTAG
GGGCTTTTTCCCATCCCTGGCCCCAATTGCGAGCGTTTCCGACCCAGGGCCCGCAGG
GCTCCAAGCCCTTCTTCCCAAGCCGCGCGCTCAGGCCCCCGCCCCCGCGGTGGG
CCCGGACCCGAGCGGAAGGGGGCGGGGGTGTGCGGGGCCGGGAAGCGGGGAGCGCGG
CGCGGAAGGTGCGGGGAGGGGTGGGGCTGGGAAGCACCGTGCGCGGGCGGCGGGAGG

GCCCCGGGCGGGGCTGCGCGGTGGTCACGTGGGGCGGGGCGGGAGGGTACTTAGGGCCGG
GGCTGGCCCCAGGCTACGGCGGCTGCAGGGCTCCGGCAACCGCTCCGGCAACGCCAACCGC
TCCGCTGCGCGCAGGCTGGGCTGCAGGCTCTCGGCTGCAGCGCTGGGTGAGTGCTGGGGA
>EP73510 (+) Hs RAD23A; range -499 to 100.
TGCCTGTAATCCCACTTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATTGCATGAACCCGGAAGGC
GGAAGCTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGACTGTT
TGAAAGAAAAAATTCTCATTTGGAAGAGGCAAAATGAGGTTTTTACAGAAGAAATACAAA
TGCTCTGTAACCACTACAGGTACATAAAAACTTTGTTAAAAATTCTTTGAGCGTGAGAGT
GGGGACACCAGAGTCACTTTGACGCCCCGTGACGTACCGATAACGGGCATGGCGTCACT
CAGGAGACCACGTGTGCGGGCCGAGCAAGAAGCCCCGCCACAGCGCGGAGTTTAGTCTG
CGCGTGCCTCGCTCGAGAACGCGCTCGTGCGCATGCCCAAAAGGCCAAGGAGGGAGTGC
GCAGGTACGTGCGCCGGTGGTCAGCGCGCGCATTGCCTGCCCCGGAAGTGGTCGGCGCG
CGGCGCGGCGCGCTGGGCGCTAAGATGGCGGCGGCGTGAGTTGCATGTTGTGTGAGGAT
CCCCGGGGCGCCGCGTCTCGGGCCCCGCCATGGCGTCACCATCACGCTCAAACGCT
>EP73511 (+) Hs ALDOC; range -499 to 100.
GGGCACTGGACTGCTTGTTCCTGGCTACCGCCTGGAGGAAACAGAAAGGCTTCATTCT
CTTACTTTCCCAAGCCCCCTCGGGGTATACCTGGCAAATATGGGGGTGAGGACAGAGA
AGCTCAGTTCTTACTTCTGCGCTGAACCTGGGCACCTTGAAGATGCTTCTGCCCCACC
TACTCAACCTGTTGTTACTGTTCTGGTGCGCTCTCTTACCAGACTAAGCTTAATCCCCA
GCATCCAGCAAGTGCCCGGCAGTGGTAAAGGGATTGTGGCAGAAATGAACGCAAGGTCA
TGGCCAGGCTCCCCGAGGTGGGAGGGCAGTCCCTAACAGCCACGGATGCCTGGCGGGGCG
CTCACTCCACCTCGCGCCCCGCTCTGAGGGCGTGGTCTTGGCCCGACACCAAGTCTG
GGGAGGGGGTGTGGTCAGGGCGGGGCATGCAGGCCACGCCCCGGAGGAGTCACTAGCT
CTGCGACATCCGAGCCTCATTTACCAGAGGGAGCCAGGGCTGCAGCCTCATCTGTTTGC
GGATCAGAACCCGAGCTGTGCTTGTGGCTGCGGCTGCTAACTGGCTGCGCACAGGTAAGG
>EP73512 (+) Hs CALM3; range -499 to 100.
CAGAGTTCAGACTTACCCACCACCACCTTGCACTGGCTCGCCCCAGTTTGACGCATTGCA
GGGAAGGTGGACCAATGGGCGCCAAGCTCTATTTCCGCCATGGGCCAGGCCCAATAGT
GACGCGGCTCACAGAGGGACGCTCACGCACCCGCGAGCTGTGCCCTCCGCCGAAGAAA
GTGAAGTGGGCCCGGGAGGCGGGGCGCGCGGCGAGGGAAAGTAGTCCGGCGACGGGAGCG
AGCGCGCGCGCGCCCGGCGGCAAAACCAATTCTGTGCAGGGTGGGGACGAGAGATTGCG
GGGCCCCGTAGGTGTGGAGCGGGGCGCGGAGGGATCCGTGGGAGCCGCACTGCGGCGGCGC
GCGGGCCGGGTGGGGCGGGGCGGAGCGAGGCGGGGCGCGCGCGGCGGCGGCTTGAGGGACC
GTTGGGCGGGAGGCGGGCGGCGGCGGCGCGCTGCGGGCAGTGAGTGTGGAGGCGC
GGACGCGCGGCGGAGCTGGAAGTGTGCACTGCTGCGCGCGCGGAGGAACCTTGATCC
CCGTGCTCCGGACACCCCGGCGCTCGCCATGGTGAGTGAGGCTGGGGGGTCGCCGAGGCT
>EP73513 (+) Hs FGR; range -499 to 100.
CCCTGTGTCCCCAGTGCTCAGCCCCGAGGAAGGGAAGGCGTGCTGACAGGGTCCATGTG
ATCCATGTCCAGTGCTCTGGTGACAGCAGTCTGAAGTCAACTGGCTGTGAGAACTCGAG
TAAGGCCAGTCCCGATCTGGTCTCAGTGATGGAGAAAAGCCCCCTCTTAACCTCCAATTC
AATGATCCTAAAAGAGCAGGTGCTTCGGGGGTGCTGAAACTGCGCTTTTGGAGGGGGCTT
TTGGGAAGGCCGGGCTGGGGACTCAGGTCTGGAGGGTGACAGAGCCGACCTCCCGTAAAC
CAGGGAGGAGGAAGGTGGGGGCGGGTGGGCCTAGGATCTGGGGGCGCCTCCTCGCTGCGG
GGAGCTGGCTTGGGGCTAGGGCGTGACTGTCTCCCTGCCACCATACCGCCCCGCCGGCGG
TGACTGCAATAAGAGAAGTCCGAGGCGGCTTCTCCTCCTGCCAGCAGGGGCGGCGGT
CAGAGGCGGGCAGCACCCAGTTCTCCCGCACGCGGCACTCGCGGTGCTGGAGCCCC
GGCTGGCTCACCCCGGGGCGGGCAGAATTGGGCTCCAGGTAAGCGACAGCGTCGGGTGG
>EP73514 (+) Hs GPD1; range -499 to 100.
TGCACTGGAGCTAGCGTGGGCTGCTGGAGGACAGAAGTGTGAACAGGGTCTGTGAGG
ATATGTGGCAGGGTTGGCGGGGGATAGGGGGTTCATGGAGGAGCTACCTCTGAAAAGCA
TTCCCCCTAGCTGCTACTGAAGCTAAATACAATTTATTTTCTGCTGGGGGACAGAAAGGAG
CAAGGGAGAGCAGTCACCTGCTCCTTATCTGGGCTATTTTCTTAGCAGACCTCAAAATGA
GACCATGGTGGGAAGCTGGGCTGGGGCCAAGGGAAGAAGCTTGCCAGCACTGTCAGCCGA
TGAGCCCAGGAGAAAAAGCTGGGCTAGTCTCTGCCCCATTCTGTTCCACACCTGTCTG
TACCCCTGTCTCTCTTTCCCTGGCTCTGCCAGACTCTCTATCTCCTGGGCGCCAGCCT
CCCCACCCACCCCTGGAGGGCGGGGCTTGGCTGCACCCACGTGTGGTGGAGTTAAATGCT
CCTAGCCGGCAGAGGAGCTAGGGAGTGTGGCACTGAGCCGGCTCAGGCAGAGACGCGGCA
CCATGGCTAGCAAGAAAGTCTGCATTGTAGGCTCCGGGAAGTGGTAAGCAGCTCTGTCAA
>EP73516 (+) Hs H3F3B; range -499 to 100.
ATTATGAAAGGTAAATAATCCAGGGAACACATTTTATTTTACATCGGAAAATATTTACAA
AAATTTTGTAAAGTAGCCTCTCTGGGTGCATAGCATTCGCTTGATGCCTGTGAGTTTAG
ACTCTGCTCATTCTGATAGAGACCAATGCAATTCATTTGCATTGACTTTCTATTGCAGA
GCTTTGGAACCAAGGGAAGGATCCAAACATAGCTCCATTTTATCCAATCAGAAGGGCCGC
TTAGTGCTAAACTCTGATTCGTCATTCCTCTTTGCATCCATCCAATCATTAGGCCACTT
TAACAGCCAATCAGCGGCGTAGATATGCACCAATCATGGAACAGTGCCGAAGCACGGCCT

TTGTGTCGGGGGATGTGACGCGCTCGGCGAAAGCGCCACCAATAGAAAAAGTCGTTGGT
GTATGCAAATAAGGGTTCTATGACGACAGAGACGAGCGTGAAGCGTGCTATAAAAAACGG
AGGCGACGCGGGGGCTTGGAGCGCAGAGCGGTTTGGTCGTTGTTGGGCGGTGCTGGTTT
TTCGCTCGTCTGACTGCGGCTCTTCTCGGGCAGCGGAAGCGGCGGCGGTCGGAGAAGT
>EP73517 (+) Hs HADHSC; range -499 to 100.

TTGGGTGTTTCGAGTCTACATTTATTTCCCTTTTAGGGGAAACAATCACTGTCCACGGGA
TAAAAATAATCCCGAGTTGATTATTTGGTGACATCAACCAACGGTGCACATTTTGGGTCC
ATTACCAACACAGCCAAGCAGCACATATTTCTTCAGAGCCTAGATATGCACATGTCATCA
AAGGATAGCATTTTACAGAGTCAACACCACTCACTTCATAGAACAAGGGGCCAGTGGCTT
TTCAGAAGAAGGTCTGTTCTCGGCCCCACACCAGAACGCCAGCCGCCAGGTCCCGCTGC
TCAGCAGGTCTCAAGCCCCGCGCTCACTCGGGCTCCGGCTGCTGACAGTGCAGAGCCCGC
CGTGATACCCGCTCAACGCTGGGACGTTACAGCCAGGGCCAATGGGCAGAGCGGGACTC
GAGGCCCCCGCCCCGCTTGTGGCGTCACGGGGACGCCGGGGGCGCGGGGCTGCAGGGC
CGCGTAGGTCCCCGCCCCAGAGTCTGGCTTTCCGCGGCTGCCCGCTCGCGCGTCTTCC
CTGCCCCGGTCTCTCGCTGTGCGCGCCGCTGCCACACCATGGCTTCGTACCAAGGCAG
>EP73518 (+) Hs DNAJB6; range -499 to 100.

GGGACTTCTCCGCCCGCGCCCGCGCCCGCCAGCTTTCTGTCGCTGTCGCGAGATG
CCACCCAGCTCCACCGCAGGACCGCGGAGCGAGAGCGGCAGACGCGCTCCGGGGGCCGC
CGGTCAAGAGGAAGATGAAGGGCGCGACGACTTCGCGGTTTCCAGAATGGGCTCCTTCTG
GCCCAACAATAAGTGCCATTTGGAATCTTCTCGGCTTCTCTGTGCTTCCGCGCGTCTG
GGCTCCCCGGTACCGTAGACCCGCCCCGAGCTCCGCCCTCGCCCTGGGCTTCCCCGC
CCCCTCGCCCCAGTCTCCTGGGCTCTTCGGGGCGGCGGAAGAGCCGAGAACCTTCGCGA
AGGTGGGGCGGGCGCCCCGAGGTTGGGCCGCGGTATGGGCAGTGGAACTGCGCATGC
GCGGCGTCAGGGTCGGGCGGAAGTTGACGCCGCGTGCCGCCGCGCGTGACGCATTTCC
TGTTTGTGTTGGAGAAAGGAGAGAAAGGAAAGCGCGAGGAGCCGCCGCCACCACGCG
CAGCAGTCTTGAGCTGTGAGGAGATTCGGGCCGTACCCCTGCCTCCCTCGCTCCCGCC
>EP73519 (+) Hs ATP5C1; range -499 to 100.

TCGTGCGCTGAGTAGTTGACTCGCCACTGCAGACCTCAGAAGCCTCACGACCCGGACCC
CGGGAGCCCCAGCCCCGCGCCCTCAGCCCCGCGTCCAGGACCTGATCTGGATTGCCAGG
GGCCCTCCTGGGAAGACGGGGCCACTCCGGGCCACTCACCTCGTCCCGGCACTGCTTCT
GGCACATCTGGCAATACCAGCGTAGCTTCTGCAGCCCTTGGACTTGATCCTGTTGGCGA
TAGCCTTGGGAGTAAGAAAATCCGACTTCCCATGGCGACCACGGCAGCGATCACTTCT
GGACCCAGTACTCAGCCAGCGGAAACGGAACCCGGGCTGGCGGCGGTGGCGGGGACAAA
TCCACGTGAGAGGCGGAAGGAGGTGGGGCTGGGAAGACTGGGTTGCAACGGTCGCGAG
ACTCCCTCGCCGTAGCGCGAAGAAACGAGACTGAAGAAGAGAGCAAGGTGGGAGGGGCG
CGCTGGGAGCTTCGGCGCATGCGCGCTGAGGCCTGCCTGACCGACCTTCAGCAGGGCTG
TGGCTACCATGTTCTCTCGCGCGGGTGTGCTGGGCTGTGCGCCTGGACCTTGACGCCG
>EP73520 (+) Hs CFL1; range -499 to 100.

GTTTATCCGACTGACGACGCTTCATACTTGATTTCTTTGCTTTAGGTGCGGATTCC
AGGCTAATCAATAGTTGCTTCGATTAGAAATGCAAAACCTAACCTCACTCAAAAATTT
CAGGCCAAGGGATCCAGATAATACCAGATGGGTCTTAAGAAAGCCGTTTGTGTGGGAT
AAAGAGCCGCTTAGTCGGGATCGTTTTTCGGGTCATTTTACTGAGCGCCGCTCGCCGGG
CTCAGAGCGGTTCTGGGAAATTGGACCAATGGGCTCGCGCTGCGCGCTGCGGTGCCGCC
CAGGACCTGGGCCTACATTTCCCTACATGCACTGCAGCTCGGAGCCGGCCGGCGGAAGA
CTCCGTTACCCAGCGAGCGAGGCGGGCGCGCAGGGCCAGCGGACTCCATTTCCCGTCGGC
TCGCGGTGGGAGCGCCGGAAGCCCGCCCCACCCCTCATTGTGCGGCTCCTACTAAACGGA
AGGGGCCGGGAGAGGCGCGTTAGTCGGGTCCCGGCAGCGGCTGCAGCGCTCTCGTCTT
CTGCGGCTCTCGGTGCCCTCTCCTTTTCTTTCCGGAACATGGTGAGCGGCAGGCCACG
>EP73521 (+) Hs SCARB2; range -499 to 100.

CTGCGGTGACAGGCGCTGGGAGCGGCCAGGCGGGCCTGGCTCAGGCGCCGAGCCACTC
AGGGCCACCGGGGACCGGCCGGGAGGGCGCGGGCCGAATCACTGCCGCCGCGCAGGGC
ACATGACTGCGGCCTCCGCCCCCGCCGCTCCCCGCGCAGTCGCCGGCGGTTGCCTCGC
GGGGTTGCGGCGAGCCGGCCCGCAACGTACGTCCCTGCGCGCTCCTGCACTCTCCC
GAGCTGCGCTAGGCGGGCGCCACGGCTGCCCGGCGAAGGAAACGAAACGAGTCCGGGC
CCGTCCCTCCGCGGCCCATCCGCCCGGTGACCCGGGGCCGCGCTGCCAGGCCGCGGA
GCCAGAGCTGCGCGCACGAACCGTGCGCCGGGAGGGCGTGGGCGTGCGCCGAAGGGTC
CCGGGTCTTCGACGCTCTGCGGCGGCTCTCCCTCCTTGCACTTGGATCCCTGGCGGGT
GCGGCCCGGCCCGGCCGTGAGCGGCGCACAGAATGGGCCGATGCTGCTTCTACACGGCG
GGGACGTTGTCCCTGCTCCTGCTGGTGACCAAGCGTCACGCTGCTGGTGGCCCCGGGTCTT
>EP73522 (+) Hs HLA-B; range -499 to 100.

GAGCTCACTCTTGGCATCAAGTTCCCCGTGCTCAGTTTCCCTACACAAGAGTCCAAGAG
GAGAGGTAAGGAGTGGGAGGCAGGGAGTCCAGTTCAGGGACAGGGATTCCAGGACGAGAA
GTGAAGGGGAAGGGGCTGGGCGCAGCCTGGGGGTCTCTCCCTGGTTTCCACAGACAGATC
CTTGTCAGGACTCAGGCAGACAGTGTGACAAAGAGGCTTGGTGTAGGAGAAGAGGGATC
AGGACGAAGTCCAGGTCCCGACGGGGCTCTCAGGGTCTCAGGCTCCGAGGGCCGCGTC

TGCAATGGGGAGGCGCAGCGTTGGGGATTCCCCACTCCCCTGAGTTTCACTTCTTCTCCC
AATTGTGTGCGGTCTTTCTTCCAGGATACGTCGACGCGTCCCCACTTCCCCTCCAT
TGGGTATTGGATATCTAGAGAAGCCAATCAGCGTCGCCGCGGTCCCAGTTCTAAAGTCCC
CACGCACCCACCCGGAAGTCTCCTCAGACGCCGAGATGCTGGTCATGGCGCCCCG
AACCGTCTCTGCTGCTCTCGGCGGCCCTGGCCCTGACCGAGACCTGGGCGCGTGAGTG
>EP73523 (+) Hs IDH3A; range -499 to 100.

ACTTGATCCCAGGAGGTCGAGGCTTTGTAGTGAACCTGTTTCGCGCTACTGCACTCCAGCC
TGGGCGACAGAGTGAGACCCGGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAATCAAAATTTGTGGAATAA
GAAAATTATGTGTCTTTCTCCACGGGATTGTAATTCTATGAGGAGCGCTATATCCCCAA
GATCCTAGAACATTAATCAGCACCTAGTAGGTGTGGAACAAACGTCTTACCTTAACAGCG
AGTCAATGAACCAGGGAGGGGAGGAAGAAGCTTTCCCGGAGATGCCGGCCCCCTCAGTTTC
CGGGTTTCGCCTGGCGCTCAGCCAGGCCAGTCACAGAGAGACGAGCCCGGCGATTCCGCAG
CGGAATGTCCAGGGGCGGGGCGAGCGAGCGAGCGCAAGCAATCTGAGGCGGTCTAGGGG
GCGGGGCGTTTACGGGGGCGTGGCCGTGCAGGGGCGGGCTCCGAGCGTGGGGTGGGCGCTT
GCGCACTGCCGTGCGGCTGTTGCTGCGGAGCCAGGAGGGGAAGCGATGGCTGGGCCCGC
GTGGATCTCTAAGGTGAGCGCTGGCAGGCCGCGGTGTGGCAGGCAGGCCGCGAGGG
>EP73524 (+) Hs IFI27; range -499 to 100.

TTTAGTTTGGCCCCATTGCTGGTAAACTCTGTGAGGATGGATATTTTGGTCTGTTTTGTT
TACAGTCCTGTCCCAGTGCCTAGTCAGTATCTAGCACAGTGGGCCTTCAGTTGAGACTTT
TTTTGAAAAACGGAACATCTGCCTATCGCAAGGACTACTATTATTCTGAAAAACACCTTC
TTCATTAGAAAGTAATATTTATCATTTTATTATAGAAGTTTATCTTACTTCTTGTGACT
TCATTCTGCGTAGAGCACACTCCCATCCTGAATTAATGACAAAGCATTTTATATTAAC
TGACAATGACTGATGCCATGGGCAAATCCTATTTCTGTAAATAACTGAATTTTCTTCTGG
ACTGCGCATGAGGGGAGAAAGATGTCTGCAGTTTCGGTTTCCTGGAATGAAACCTATC
TCATTTGTTGCCTGTGTCAAGGGGCGAGTCTCAGTCGGGGTGGAGCTGCTTAAAGGCC
TGGGATCACACCTTTGGGAACACATCCAAGCTTAAGACGGTGAGGTACGCTTCACATTC
TCAGGAACCTCTCTTTTGGGTAAGACTGGGAGGGTGGGCAGGAGCTACCCTTCCCCTG
>EP73525 (+) Hs MEP1A; range -499 to 100.

TGTTAGATTTTTTACTAGAATGACAATGAATTTATAGATTAATATTAACAATCTATTA
ATATTTATACATATGTACATATAGAGAGAGAGTCAGGTATTTTTATGTCCTTCAATAAT
TGCTTTATAACATTTCCATAAAATTTGAATTTATTTTTATTAGAATTAATAATAATAA
TTTTATAAATTATTTTTATTTTATTGTTAAGGGGATCGTCTATCCTGTTTTATGATATG
AATGGCTATGGCTGCCCTATAGGAAGTTATTAGTTCTTATATGCTCATTTCCGTATTA
TTTTTCAAACTTTTCCCAAGTCTTTGGAGCTTAAGCATTTAAGGTAAACTTAGTGTTGT
CCTCGAAAGAGTCAATGATGTTATCTTTGACAACCTTTATTGGCACTACGGTACATATGG
AAGGGTCAAAGTTTCTAATACGACCGTCAGGGTAAAGTCTAAACGGTATTTATGACAAGG
TGTGTGCTAAATCAGCTCACTTGCAGCAATGGCTTGGATTAGATCCACTTGCATTCTCT
TTTTTACCTTGCTTTTGGCCACATAGCAGCTGTACCGTAAGTCGAGTCCTGCTTTTTG
>EP73526 (+) Hs NFIC; range -499 to 100.

GATGGGGGGGTGGGAGGGGGGGCCTTAAAAATCCACCCCTGGCCCCCTCAATGTCCAGAA
ACAACCCTGTCCCCCTCTCCGCTTGATCCGAATTGGGGTGCCTGTCAGTCCTGGGGTC
CTGGTCTAGTGCCCTGGGGCATTGCGTAAATACGGGAGGAGCGGGGGGTCTGAGACGT
CGGGGGAGGCTCTCTTTCTCGCTCGCGCCCTTTTTTCCCTCGTTTCTTTGAAAGTTGGG
TGTTGAGAAGTGGGAGGTTCCGGGTGGGAGGGGGAGGGTGTGAGAGGTAGAGAGAGAGA
CAGAGAGACAGAGACGGGGGAGAGAGGAAGAGAGAGACGGAGGGAGAGAGGGACAGAGAG
CGAGGCGGGCGGCGGAGAGAGGGAGAGCAGGAGGGAGGAGGAGGGAGACCGAGGGAGGA
GGCGGCGAGGAGAGCGCGCCGCCGCGGGGCGGGGGGGGGGTTGGGGGGGGCGGGGGGG
TGGTTTGGAAAAATGACTCAGTAAGTTACGCGCGCCCGCTCCGGCCGGCCCTGCGCCTCC
CGCCGCGCCCGGATGTATTGCTCCCGCTCTGCCTACCCAGGTACGGTCTCGCCCGG
>EP73527 (+) Hs LGMN; range -499 to 100.

GCCGTTTAATTTCTCTAGACATCGTTCAATAAAAGAAAGCGAGAATATAATGTGGGAAT
AGAAGTTGTAAGCATACGTGACTGACATTACAGTCAGTTCAAGGCTTAAATATTTTTTC
GGTGGGGGGTTTCAACAGCTTTTCAATTTTATTTTACAGGGGCATCAGTATTTTTGAG
GCTTTCTAAGTGGCTCCAATGTGCGGACAGGTTGCTCCAAGAGCTGGTATGATCTTTC
GGTAGATGCTTCTGGAATCACCGCGCCCCAGACCTCAAGTACCTCGGATTCCCCACCTC
ACTTCAGTGCAGCACTACTGCCCTCCACCCCGCGCCAGCCAGAAAGCCCTGCCCAT
GCACACTGGGATTTGTAGTCCCTTTGGCTCGCCGGCCTCGTCTCTCTCCCATTTGGTTT
TGGCAGATGCCACGCCCATAGCTCCACCAAGTCACCGCGGCACAGTGGCCCTTAAGCGAG
GAGCGGCGGGCGCCCGCAGCAATCACAGCAGTGCCGACGTCGTGGGTGTTTGGTGTGAGGC
TGCGAGCCGCCGCGAGTTCTCACGGTCCCGCCGGCGCCACCACCGCGTCACTACCGCC
>EP73528 (+) Hs COPS3; range -499 to 100.

TGGTTAAGGACACTAAGATTTTACAGATGGGGAAAACAATGCACACGACAGTCAAGTGAC
CCGCTCAACGTACACAGCTACTAAGTGGTAGAAAAGGCAGTTGAACCCAGGCTGCTTGG
CTCCAGAGTCTAATATCACGGGAAAACCTCACGGGAGACGTGGCAACGAAGTTGTGCTT
CATTGAAGTATCTGTCCAGGTGAAAAACCGAGGGCCTCTAGCAAAATCCAGAACCAG

AAAATACTTGCTTAATTATGAGTTTCCTTCCTTTCTTTTGCCCACTATCCCCATTTAACCT
GCGGAGGGATTTTCAGAAGTGACGTGAATAAAGATGCAGGGGACTATGGAACACTAATTTTC
CGGCTACGGCGAATTCAGGCTGTTTTCCATGGAACAGTAACGGGTGGGAGCTAGGTATA
GTCTCGCGGTGCTTGAACAGCGGAAGTGACGTGCGCGCTCGCGAGGACCTCAGGTGGAT
CGCCGCGGCCCTCTCCAGAGCGGCAGCCTTTTCCGCGCGTGTGCTTTCGCCGCTC
GGGCGCGCGGGGAAAACATGGCGTCTGCCCTGGAGCAGTTCTGTGAACAGTGTCCGACA
>EP73529 (+) Hs CES2; range -499 to 100.

AGGGGAACCCAGGAACTGAGTCCTGAAAGCAAGGAGGAACTTCCAGAATGAAGGGCGCC
GACACTCCTTCTGCTTTTGCTCAAGCGGTTCTTACCCCGATCAAGTTCTTCCCATTT
TCTCCATCTGGGGGATCCTGAACGTGCACATCCTCAGAGAAGCCCTCCTGGGGTCTCCAA
TTCTAGTTTATTGCCCCCTCTATCGATCCCCAGCGCGCTCATCGGGCTGTGGACAAG
GACAGGTTTGAAGAGAGGATTCCCTGGATCGCGGAAGGGCTGCAGGAATGGCACAGCCCC
TTCCGAGGATGCCAAAGGAGCCCGGGCAAAGGAAAGTGGCCGTGCCCGGGCTGCCTACC
ACTAGATCCCCACCCACCTATGACTGCTCAGTCCCGCTCTCTACCACACCCACCTTCC
CGGCCAAGCCAGCGCACCCCGCTGACTCCCTGCCAGTCCAACTCCAAGGCTGGGCAA
GGCACTGATCCACTGCTGGACAGACCCGGGCGAGCCTCTGGGTGAACAGCAGCGTGTCCG
CCGGCAGCGAACCAGAGACGCGAGCCGACCATGCGGCTGCACAGACTTCTGTGCGCGGCT
>EP73530 (+) Hs AQP3; range -499 to 100.

TGACAGAAGAGACAGTGTGTTCTCACTTGGGGCTCGCAGCCTCCTCCTCTGCCTCGA
ACTGAGGATCTGTTGGGTCCAGTCATCCTGGAGAGATGCGGCCAGTTTCTTTCTGACAGG
TCTCCTCTGCCGCAAGGAAGTGGGGTGATCACAGGGCGCAGGTGGTCTCTATGACAGC
TGCATCCTCTCCAGCCATGGCCCTGAACCCTGCCTATAATCCCACCATTTGGCTCTCAGAT
CTGCCAAGCCTCTCAGCCCCCTTGACGTCCCTCCCTTAAGCGCCCTCCGAAGGCCACC
CGTCCCTCAAAGCTCCTCACACTCCATGCCCGCAGTCCCTCCACCCGGCGTCCGCACCA
GCCTCCCAGCCGAGGTGGGGCGGGGGCGAGGGGGCGGCGACTCCTCGGCGCTCCGGGACT
GCAGGGCGGGGCTGCAGGGCGGGCGGGGCCGTGTCTCCAGCGCTCCTATAAAGGGAGCC
ACCAGCGCTGGAGGCCGCTGCTCGCTGCGCCACCGCTCCCGCCACCCCTGCCCGCCCGA
CAGCGCCGCGCTGCCCGCCATGGGTGCACAGAAGGAGCTGGTGTCCCGCTGCGGGGA
>EP73531 (+) Hs G22P1; range -499 to 100.

TCGTACACGTAGAGCTTACCCGATAGAGATTCGGCGGCTCCATTGGGACCCGTGGCGAC
GGCGGCCACGACGGCCCTCGGGCACCCGGCAGCGGCTTGGACCTTCCCGTACCCGACGGG
AGTGCGAAGCGGAGGGAGAGGGGGGACCGAGCCCGGGCCCGGGCTGAGGGGTGGGGGAG
AGGCCGCCCTGCGCTGCTCGCGCCCCACACCCGCTACCGGCAACGACTACTGTGAGGTG
ACAGAGAGGGGACAGGGAGGGGCCACACGGAAGAGGGGGCGGGGGCAGGGATGCATTTT
GCGCATGTGCTTACAGTCTGACGTAGGAAGGGGCGGGGCTTTGCCGAAGGGGGCGGGGC
TCTCGCTGATGGGTTGGCTTTCGTACGGGACATAGGTAGAAGCTGGTTGGGGAGTGTGCG
TGCCAGCCTGACGCGATATAGTGCGCACATGCGTGATGACGTAGAGGGCGTTGATTGGGA
CCGAGTACAGGGCCCGCGCATGCGTGGATTGCTGCTTCTGTCCAAGTTGGTGTGCTTCCC
TGCGCCAAAGGTAAGCGGGCCGTTATCCATTTGTGTTGTTGCCAGCTAGGCCTGGCCTC
>EP73532 (+) Hs GATM; range -499 to 100.

ACAAATGGCCCAATTTCCAGACTTAGTTTTCTGCAGTCTCAAACCCGATGTTGCACCAAG
AAACCACCTAATCTTTAGGTGGTTTCGTTTACCGAAAAATGAGGTGACTGGTTCAGTGCG
CATATGTGAATTTAAGGGTAACACTGTACTCACGCTTTCATATTTAAATTTCTCAAATAT
TCACTTAATATATGCATAGACCATTGTCACTTCGTGAGAAGTCGCGTCTGCCAGTTGC
GCGAGACTCCAACGGGCCTTCTTGCGACGCTCGGGTCTGGGTCCGGGTCCGGACGTGCAA
CAGAAGCCGTCAGTGGCCCCGCTGGCTAAAAAAGGGCAAGCATCGGAGGCTCGAGCCAGC
GGCCGCGGCGCTTCCGACAGTTCCTAATTCGGGGCGCTACGCCGGCCCCACCACCTGTT
CCCGGCAGCCAATGGGGCCGCGGGGGCGGCCGGGGCGGAGCGCGGTACAAAAGGCCTC
GGGCCCCGCGCGCCCGCCACCCCGCTCCGGGCGCGCTCTCGGGAAGGCTTGACCGACG
CGGCCAGAGGCCAGGAACATTCCGCGCGTGGACAGCCGGGCCAGGGCGATGCTGCGGG
>EP73533 (+) Hs ANXA1; range -499 to 100.

CTCCACAAAAAGCGGGGAAAAAGACAACAAAAACAAAGTAAAAACAGGTTTCAGAAAAAT
TAAGTATGTCCCTAAAGTCACAGAATAATAAGTGATGGAGGTGGAATTCAAATGTAATAT
TTTGTGTTGTTGGTTTGTGTTAGTTTTGAAGTAACTACTTTTTAGTCTACAACCTATTTA
ACTACAAAAGTGTGCCAATCACTGGTATTAGGATTGGGGCAGATGTATACTCTGAAAATA
AAAGTGCAAAAATAAATATCCCATCTGGAATAAAAGTGCAAAAATAAAGAGGGAGGAAAA
TCAGCCCTTCCATTTCTTTTCTTTGTAATGCCAGTTGAATTGGTTTAGTGAGTAGTTTT
GCAAGACTTGTTTCACTTTGTTTTTGGACATAGCTGAGCCATGTACTTCAAACAGAAGGC
AGCCAATTAACCTTCTGGTTGCTAGGTGTGGCTTCTTTAAATCCTATAAAATCAGA
AGCCCAAGTCTCCACTGCCAGTGTGAAATCTTCAGAGAAGAATTTCTCTTTAGTTCTTTG
CAAGAAGGTAGAGATAAAGGTAAGTCTTGTTTTCTTTTAGTTAGTTTTGGTTGTTTTG
>EP73534 (+) Hs CTSC; range -499 to 100.

TTTCAGAGGAAAAACAAGAAGTTGGTTATGAGGCAAGTGGACCTGAGAAAAAGACTAA
AGGGGAAGAATAGCAAGTAAACAGAACTCCACTTGCTAGATCTCTCCCTCTGTCGCGCT
CTTTCACCTGACCCACTCCCTTATTTCCCCCACACCTTTCTTCTCTCCCTACGTTACC

GCACAGGAACGAAGTCTGGGTCTATGTGCGGACCGCTTGTGGCTCTTAAATCCTCTTTTTG
TCACCCTGGCCGTGCAAAATTTTGAACGTCCTCGGCAAAAAAATAAAAAATAAAAAA
AAAAATCTGTCCCTGGCCTCTTCCCTAGTTCTGGGTCCAGTTGACAGCCAAGTGAGGGGCA
GCGCGCGCTCCCAAGTCCCGTTTCAGAGACGCGACGCGCCTGGCGCCCAACCCCAAT
CCCCTGCTGCTCAGTGACCCCGCCACGGGTTTCCGGGCCGGCGTAGCTATTTCAAGGCG
CGCGCCTCGTGGTGGACTCACCGCTAGCCCGCAGCGCTCGGCTTCTGGTAATTCTTCAC
CTCTTTTCTCAGCTCCCTGCAGCATGGGTGCTGGGCCCTCCTTGCTGCTCGCCGCCCTCC
>EP73535 (+) Hs TTC4; range -499 to 100.

TGTTCTTCCATGGGAATGCCTTTCCAGACCCCTCCTAGTCACTCCCAGGCCTCTGGCA
GAATGTCTACCCATCCTGTTTAAACTTTTCCCAATAGCTCTTGCTACCCCTGACAAAC
TCTTACATCTCAACTATTGTCGTTTCTCCCACTGCCTTAGCAACTCCTAGAGGGCAGA
GATTTTCATCTGCTCTGCCACCGCTATATAGCCAGCCACTAGAACAGGCCGGAAGCGCAG
AAAGAGCTAAGTAAGTATGTGTTGACTGACTGACGAACAAATGAATGAAGTGAGATGGGG
GCTTTGGGGATTGCGGTTACGCACCACCCAAAAGCATTTCGAAGGCCGGGCGAGGCCAG
GCACTGCCGAGGAGGGCGGGCCGGGGGAGGAGCGTATTGGCCACGCCCGGCCACGCCCC
AGGCCGGCGGAACCCAAGCGCGGGGACCTGCGCTGCCGGGAGGATTGAGGGAAGGGAAC
CCGCGCCGCGGAAGGAGCGCTCGCTTACGCGCTGGGACCCGGGCTGGAAGGCAGGG
CATCAGCTATGGAACAACCTGGGCGAGGATCCACCTCAGACGACGTCATGGACTCGTTCC
>EP73536 (+) Hs UCHL1; range -499 to 100.

TCACTTAAAAACGAACCTCGGTACTGGTCTGACTTAACATGGAGGAGGAATTGTCTAAGG
TTAAACGCAAACTGCTGAGAGATTTGGGGCGGGGGGCACACATTTACATTCATTCTGATT
AAATATATACCTGTTGAATTTGTGCTTTTTCTCAAATGCTTCAGAGACTCGAGCTTTAGA
GTAATTGGGATGGTGAAAGGATGGGTTTCCAGAACTTCGCCCCAAATTAAGACTCCAT
CAAAAGGACTGCTCCATACACTCAAGGAACACCCACCAACAAATCCCCTCTCCACAACCA
CCAGATTATCTACCGGCGAGTGAGACTGCAAGGTTTGGGGGCCCGGCCGTACCACTCCG
CGCTGCGCACGGGGGTTCTGATCCCATCTGGCCGCGACCGTCCGTTTCCCCCTCGCTTGG
TTCTGCCCCCTGCTCCCCCTGCACAGGCCTCACAGTGCCTGTCGCGGCGCTTTATAGCTG
CAGCCTGGGCGGCTCCGCTAGCTGTTTTCTGCTTCCCTAGGCTATTTCTGCCGGGCGCT
CCGCGAAGATGCAGCTCAAGCCGATGGAGATCAACCCCGAGGTGAGCGCCAGGTGCACCG
>EP73537 (+) Hs UXT; range -499 to 100.

TTAAACCTTTTAAATGCTTATACTCAGTCCCATTGCCAGGAGTGAAATCCAAACCTCCC
GTGTGAAAAATCAATATCCAGGCCGACAGATCACACGGGATCTTCTTATAGACCAGAAC
CATAGTCAATTTTTATGGTCTTTTAAATATTAACCTTCACTTCTCTACCTCCACCTG
TGCGTCGCGCTACCTTAGAACCCGCCAAATCCCATTAATCCCAACCCCAACAGCCACA
CACGGTCTCCATAGGCTCCAGGCGCGCTTTTGCAGTCCCCCATTGGCCGGTTTATTGCC
AGACGGCCCCCTGCTCGACGCCCTAGTCTTCTTTGATCTCCTCGATTCCGTGAAGCCCT
GCCCTTCTTCTCTCCCTTTGGCCGCTTCTTCCACTCAGGCCCGCCCTCCCCAACTG
GCTATTTGGTTGGCCAGCGGCTTGCCACTTACGTATTACCCGCGCCACCCGGAAGCC
GCGGTTCTACCAACCGTTCTTATTGCTGGCGGCTGAGGTAAAGGCCGCGCTTGGGTGT
CCCTGGGTGGTGGGTCCCCGAGTTGGGAGGGGCGGAAGGCTGAACCTCCAGCTTGAGCC
>EP73538 (+) Hs USP11; range -499 to 100.

TAAACTGGGCGGACAGCTAGTTTAGTTATGATTGCTATGACTCCAACAAACATAGGGCCT
GGGGCTAACTTGTCTTCAACACCTTGTCTAGTGAATAAATCTAGTTTCAAGGAAGAGAAACA
ACAGCCCCGACGGCTCGGTGGGTCTCTGGAGGTGGAACCTCTTTGCAATTGGGTTTTGA
TGGTACAATGAAGGGCATTCTGATCAGGCTAACAAAAACACTGCTCCCAGGGTAGGAGTC
CTAGCCCACCTCGGGAACCTCAGCCTCCACTTTCCATGCCACCTGTGCCCTAAGTCTACA
GGGCGTTAGGACCCACAAGGCACTTTTGTCTTCTTGGTTCCCACTGAAGATTTTACCC
CACCTAGCCCTTCGACGCGTCTGTGCACGGGGCCATTCCAATATGGCAGTAGCCCCGCG
ACTGTTTGGGGGGCTCTGCTCCGTTTCCGGGACCAGAATCCGGAAGTGCTGTTGAGGG
GCGTCTTCCAATCTCGACAGCTGCGTTGGCTGTAGAAGAGAACGACGCGGATGGCGAC
GGTCGACGAAATCCAGCTGTGCTGCGGCGGCTGTGGCGGCGGACGCGGCTGACTGA
>EP73539 (+) Hs PRPF4; range -499 to 100.

TGGGAAGACTTCCGGACCATGGAGGAGAACAGTCTCTGTCCTTAGCTCCAGGCCTGTAC
CTCGGAGCCCAGGCAAGGGTTTCTATGGTAACATGGTCTCTCGGCTCCAAGAAGACGTAAA
CGCCCCCGTACGCCGGGGGGCACAGCGGACCCGGAAGCCCTTGACTCGCTCCAGAGTT
CAGCCCCGAGCCGCGGAGTCTGACTCACCTACCTTTTTCAAGCCGGCTAGCCCCCTCC
CGGAACCTCGGCTCCCCCAACGAACTACTGCTAAGCCAACCTGGACTACACTTCCCAG
ACTGCTTGGAGCCTCTCTCTCCGAGAACCTCGTCTTCCGCGAGCTTTTCTGGAGGTTT
TAGGAGGGATGCCCCCTCAATGCCACGACGCCATTTCTACTACGACTTCCATCATGCTCC
GCGCCGCTCCGGGGGCGGTGACCCCTCTTGGCCACGTCTTGTCAGTGACGCACTTCTCTG
TCAGTGACGCACTTCCCCTCTGCTGGGCGCGCGGTGGACGGTCTGAAAGGGAGTGTTCCG
GTTTCGCTGGGGCTCGCGGCTCCAGAGCCAGCATGGCTTCTCGCGAGCCTCTTCCAC
>EP73540 (+) Hs CD83; range -499 to 100.

GAAGAGTGAGGACTTGGGTTACCAAGTGCCTTCCAAGGACAGGCTGGGCTTCTGAGGAA
GTTGCCACCCCTCTCGGAATCTGGTTTGGCCTCCGTAATAATGGGCAGATCCCGCTCGGAT

GGCCCCGTTCCCGGCTTCTTTTTCGCGGTCAACGGCAGCGTCACGCGCGAGCGCGGTCT
TGCAAAGCCCCAGCGCTGGGCGTCACGCGGGATTGCTGTGCGCGCTGCCAGCCGACG
AGCGACGCGAACTCGGGGCGCCCCGGCCGGGCGCGCGGGGGCGGGGACGCGACGCGCG
AGGGCGGCGGGTGCACGGGGGCGGGGACGGGGGCGGGGACGGGGGCGAAGGGGGCGGGG
ACGGGGGCGCCCCGGCCTAAGCGGGACTAGGAGGGCGCGCCACCCGCTTCCGCTGCCCGC
CGGGGAATCCCCGGGCTGGCGCGCAGGGAAGTTCCCGAACGCGCGGGCATAAAAGGGCA
GCCGGCGCCCGCGGCCACAGCTCTGCAGCTCGTGGCAGCGGCGCAGCGCTCCAGCCATG
TCGCGCGGCCTCCAGCTTCTGCTCCTGAGCTGCGGTAGGGCTCGCGAGCGCTGTCTCGC
>EP73541 (+) Hs TRIP15; range -499 to 100.

TTGCTGAAAAGTACTCCAAGTATCTTAGGAACACCCACCGCAATGTGTGGGCTAAATGCA
CACGTACAATGATAGCAGAAATAATACCTGTCATATAGGACGGGCATGTCAGCCTTTTCT
CCGCGAAAGGCTTCTGGTCTTAAGCTGTCCCTTACTTTACCCGGAATGAGATGCGTCCAG
AGTCCCAAGCAAGGGAGGAGACTGCTCCTTTACCCAGGAGGCTGGAACTGCTCGATGCG
AGCGCAGTTTCCGACGCCCTTCGGCTGAGACCTGCAGCACCGGACGATGTCCAGTTGCC
AGCTTTAGTTGCTAAGGCACCAACCACTTCGGAGGAAACGGGGGTGGTGAGTCTCTTT
TGGAGTCGTAGCAATCAGCTACAAGTCGAGATAATTAGTTCCGGCAGGAAACAGCTCCT
CTAAGAGGGACTTGAAGGCGGAAAGCTGAGAGTGACGCTCTGAGCCGCGGAGGATT
GTGGGAGGAGGTTGTCTCCAATTTCTCCTCCCCCTCCCGCCAAGATGTCTGACATGGAG
GATGATTTTATGTGCGATGATGAGGAGGACTACGACCTGGTGAGGCGCAGGGAATGGAAC
>EP73542 (+) Hs TXNL; range -499 to 100.

TAATTAAGTCTGTTAATAAATATTCCTAAACGTTATTTTGTCTTGATGTAGACCTGCC
CGAATACAGTACAGGAGCATCTTCAAAGTACTTCCAGTGGGTGCCCTGGACAGCAGCTAA
GAACCCCGGGGTAAAACGAGTTTCTCTCTACTGTTACAAATCAGAACTCCTCCGTAA
AAGCCTCAGATCTGGGAAACGCGGATGCATATGCCAATTTTGAAGTCTCAGTCTGCGCCT
GCGCAGTGACCTCTACACGTCTCCTCTGCGCCTGCGCCGCTCAAGTTAGCGCGAGGCTA
CTCAGTCGAGGGTGGGACTACGCTTCGCGTTTTGGGATTGGGCGCTGAAGGCCAAACCGG
ACGACGCGGAAATGACGTACGCCGGGGGCCCTGCCGCGCGGTGGCTGCTGGGTGCCGCA
CGCCTTCCCATCCTCCTCCTCTCCCCCTCCCCCATCCCTCCCCGCCCCCTCGGCCGCTCCG
CTCCCTGGCGTGACTCGGCACTGAGAGTCCCGGAGAAGACTCGGCGGTGCGCACCTCTT
CTGTCCAGGCCCTCGGCCTTCTGAGCATCTCTCTTCTCTCCAGATCGTCTTCTCCTT
>EP73543 (+) Hs TM9SF2; range -499 to 100.

TCTATTTGAGGATTTGTGGCTAATTCCTCCCATTTGTTTCCTTAGCCTGCTCCCAACCA
GGTGTCTCCAGAACTTTTCTCTCCGCACTCCGCTCCAGACAGACCGCAGGTGC
TTTCTGTCTATAGGGACTGGCTTGCCGCGGACAGTGTGACAAAGAACTGTATGATGGATA
TGAGAACTTCGTAAGACCCAGCAGCAAACGGGGAGCGGCTGGCGAGCGCTCCACAGCCCC
CAAGCGTGGGAGCTCTAGATCGGAATTTGTAATTTGGAATTGGAACGTGAGCGCCGGAAC
AGCTCTCCAGCAACCACCTCTCCAGCAACCACCTCAGCTGGCGCGCGGAAAACCCGGA
AAGTGGATTTGCCCCCGCTCCCTCCCGGAACTCCTCTGGTGCCTGCGACCGTTCTCA
CTGAGCATGTGACAGCGCGGTGCGCATGCTCTGTTGCGGTCCGCTTCGGTTTCTGTTGC
GGGACCCGGGGTGTCTCTAGCGCAACCGGAACTAGCCTTCTGGGGGCGGCTTCTTTA
TCTCTGGCGGCCTTGAGTCGTCTCGAGACTCCCCACCCCTCCTTCCCTCTTGACCCCC
>EP73544 (+) Hs SLC22A8; range -499 to 100.

CTGGGTGTGCCCTAACACTTCTGAGAGGCAAATCCCCTTCCCCTACTCGGGAGGTGCCA
GGCAGGGGAGGTAGCACACAGGAGAATGCTGCCTGCTTACGGGCACCAAGTGCCTTTCCCA
TTGGTTGTCTCAGCATCAAGTCTCTGAACATCAGTTGAGAGGGACCTTGAACCCTCAG
AGGTACAGGCCAGATTCTTCCAGAATCTCCCCTCGGTGAGCCTGCCAGGGCTGCTCGCG
TTGGGCGGATGTACAAAACGGAGGCACGTCTCAGACTTCCCATTGGGGCCGTGGTGTCC
AGCCAGACGCCCTGCTAGGCTCAGCCACGCTGCCCCACCCCAAGCGGCCCTCGCTGAGGC
AGCCCTTTGAGGAGAGCTGGGCTTGGTGGGTCCACAGCACTCTCCCTGCCAGTGACGTTA
ATCCGCAAAAAGAAAGTCAAACATTAGCCCGGGAACAGCTTATGCCTTATATAAGCCCCC
CTGGGGGAGGCACAAACACAGCTTGTAGAGCTGAGCTGCCCTACTACAGCAGCTGCCGG
CCCCTAGGACAGAGCAGGGACCTCAACTACACTGATCACCAGCCCCATCGGATCCAGACC
>EP73545 (+) Hs SURB7; range -499 to 100.

GGGAGGCGGAGCTGGCAGTGAGCCGAGATCGCACCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGA
ACGAGACTCCGTCTCAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTTACTCTTCAATTTGGTCAATAAATAAACACGAGAGGGTACGAGAAATTAATAAAAAA
AAAAAATCCCCGAGAATCCAACAATCTCTGAAGCCTTTAACACCTAACAAACCCCAAGGG
GAGTATTTCCGCTCTTGGACTGTATTTCAAAGCGATTGGACCCAGACCATTTCCCCAGT
TACTCAAAAGATCCAGCCTCTCTCAGGTGTAGCCCGCTCTAGAAAGGCCGCTCGGGAG
TACCACCACTCCTGACGGGGCGGGGAGTTCTCTCCGACCCACCCGTTCCAAGGACGCA
GCCCTGTGATTGGCCATGACGCGTGCCAGAGCTGCCAGTCGCGGAAGAGCAGCTGTTTT
GGCGTCTGTTTGTGCGGTAGGAACATGGCGGATCGGCTCACGCAGCTTCAGGACGCTGT
GAATTCGGTGAGGAATTTTCATTGATTAGCCTCTGTCTTTCTTTCTTTGAGGTAAAGCA
>EP73546 (+) Hs USP49; range -499 to 100.

GCCAGGATCTGATCGGCCAGGGGCGCATGTTTTCTGACCCCCACCCACGGGCCGCC

TTGAATTTGGGCATTTTTCTCGAAAAAGTTGCCGGGAAGGATCGCACGTGGGGACTGAAG
AAAGGCCAGGATGCGCTTGCGCGGTGGACTCCCAGCGCCCAAGAGGCCCGCCGGCGATCA
CAGCGCCCCCTAGCATTCGGAGGCCAGAAGCGCCATCAGCGCCGCCCTCCCACTAAAAG
AGTCCCAGGTTCCGGAGCTGGACTCCCGAATATATTCACTGCCTTTAACGTTAGCTTCT
CTCAATAGTGCAGTCTTTGAGTGTGCTCTCTAGCTTCATGGATGTAGGCCTAGAGTGC
TCAGCCAAACGGGAATGTCTGGATTTAGAAACCTCGGGGCGGAATCCGCAGATGATGTC
AGTGGAGGCGTCACCGAGGGGTGCCGAGACACGCCCCATTCTTGGGGAAGGCGTGGACC
CGGCGCTCTGTTTTACGTATTTCCGGAGTCCCTTCTGAGACAGAAGGTTGTGTTGGGGA
ACTGAAGGAGTTTCTGTGGGCGGACAGGGAACCTGCGTTTCTACTGTGTATTCTGCCA
>EP73547 (+) Hs PMPCB; range -499 to 100.

AACATAAGTCTGTAAAGTGTCCAACCTTTTAGCAATTAGTGACCTTACCAAGGGCAATTTT
TATGGAATGAGATGAGCCATATTGTAGAGGTTTCAAGAGTGGATAGTGGTCAACACGGAT
ACATCGTTTTCTCCCTCACGGCATCTGTCTCTCCCACTAGACTTTTCTTTAAAGGCAG
TGACTTATGAATATTATCCACTGTTTTCAATCAATTCCATCCACAGTGAGATATATTG
CATCAGGTTACCTTTTATCCACCGCATTTGTGCCTTGCACTTAGTAGCGCATCGATAAA
ATAACTGATGATAAAGGGGCTTCTGCAGACTCCCAATTCATTTGGTAAAGACCGCTCAG
CATCATGGTCGGGCCCCGATTGCTTTTACAACCGCTTCGAGGAGTGTATTCCCATCACG
GCCACAAGGTGGAGCCACCTCCCTGCTCTGGGACCTCAGGTGCGGACCCCGGAAGCACA
TCCTTCATCCTCTACCTTCTCTAGCAGAAATGGCGGCTGCGGCGGCTCGAGTGGTGT
GTCATCCGCGGCGCGGCGGCGCTCTGGGTTTTCAGCGAGAGTCTTCTAATCCGAGGCGC
>EP73548 (+) Hs ITM2A; range -499 to 100.

TTCTAGGTGCTCTTTAAAAGGAAGATATTATTATCAAGGAACAGAACCTTTGTAGAATGG
CGCTTTGGGGGCTGGGTGGGTCCAGAACTAAGGAAGTTTGAGTTACTGCAAGCTACAG
TCCAGGCCCTGCGGGGAGTCAGGTCCAAGTTTGAGAAAACAGTCATAGTCAGGGGCTAT
TGTGGCCTGGACAGAGGCAGAAAGACACGACACAGCAGGCTTCTTCTGCTCTTGTCTT
ATCTGAAGTTGCAGAGAGTGGGTGGGAGTATGCCTGAGGTGCAGGTGAGGCACGTTTAGC
CTGAGCCGGCCACGACTCCACTTCCCCTGCTCTTCCCCAGTGGCAAATCCGCGCCACC
TCGCAAAACCCCAACTCAGGCACTTGGGCCCTTTTGGGCCCCCTCTCGCTCCTCCCTTT
AGGCACCTCCCTGGGCCCGCCACGGTCTCCCCCAGTTTGGGACTGCGTCATAAGTATC
CCAGACCTCGGCTTGCAGTAGTGTAGACTGAAGATAAAGTAAGTGCTGTTTGGGCTAAC
AGGATCTCCTCTTGCACTGTCAGCCCAGGACGCTGATTCCAGCAGCGCCTTACCGCGCA
>EP73549 (+) Hs MPDU1; range -499 to 100.

CGCGCAACCCCGCACCTAAGGAGGCTGCCCGGTGCAGACTCTCTGCTCCCACCGGCGC
CCTTCCCTCTAGAGACGCTGAGAGAACGGGAGCTAGTAGCGCCCCACCAACGCCACCT
CGGAGACTCCGGCTCCTTCTCTCAACTTCAACAATACAAAGTGTGCTAGGAGAAGAC
AAGATGGCGCCAGCAGGAGGAGCGGAGAAAGGCAGGGGTGTAAATCTGGCTTCCAACT
GGAAGCGTCAACAAAGGCGTGGGAGGTCTAACCGCGCAGGCGTGCAGCTTCGGCAAGCTT
TACAATTCCAACAGCGCTCCAAACGTGGTCCCTGACTGAGACTTATTTACGCCACTA
GAGTGAGGGTGGGTAGCGTCAGAAAGAGCGGGGCACGGGGCGGGCCAGCTTCGCCGCGGG
AAAAGAACGGGAGGCGGAGTGTCCGAGCGCGCACGCGCAACGAAAGTCAATGGCGGTCT
GGAGAGACTGGCGGAAGCTAGCTTTGCAATATGGCGGCCGAGGCGGACGACCGCTTAAA
CGGCTGCTCGTGCCGATTCTTTTACCTGAGAAATGCTACGACCAACTTTTCGTTCAAGTG
>EP73550 (+) Hs EI24; range -499 to 100.

CTGAGTAGCTGGGACCACAGGCAGGTACCACCACACCTGGCTAATTTTTGTTATTTTAGT
AGAGATGGGGTTTCGCTATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGACCTCGTGATCTGC
CTGCCTTGGCTCCCAAAATGCTGGGATTAAAGGCATCTGTTACTAATTTTACAGGATT
TTAGAAACGCAAGCAGCGTTGTGGAGTCAATGGGGGAGGGCAAAGAACAGGAGGAGAGAT
CTGTGAGAACGGGATCGGCGAGGAGGCGACGGGGAGGAGCGACGCGGAGGGGTGAGGGG
TCCTCTCCGCCGCCAGGCGGAGTTGGGAGCCGACGATCCCGCACGCAGCGCGAGGCGGG
ACCCCGGACTGACTACATTTCCAGTCTCCGTCGCTCCGCGCGGCCACCCCTTCGGCTC
TGGGCCCCGCTCGTGGTGCCGGCTGGTTCTTCGCGCTCGCCCCGACTTCCCAGCGGCCCC
GTGCGGCCCGGGCATGCCAGTGCGGGCGCAGCGGCCCGGCCCTGGAAGCGCCCCGGCG
GAGCTGGCCTGCGGTGGGCTAGGGGCAGGGCCGGAGCCGCGGCGGCGGAGCTGTGGGTAG
>EP73551 (+) Hs PRDX6; range -499 to 100.

GGCCGCGAGTGGGTGCGCAGCAGGGTGCAGCGGACCCGTGCAGCGCCCAGGGCGGCTGT
GCGAAGCCGCCGAGCCTGCGCGCCAGGCGATTCTCCACCTTGGGGCTCGCTTCTCTGC
CGGCTTCTCTCTCTTCCATCCCTAAAGCGCGTACGCCCTGCAGAGTCAAACCTGGCGCA
TCCTCAAGCTTCCAGGGGGCAACGTGACCGAGCCCCGCATCACGTGTGAGAGACGGCCT
ATAGTGTCTGAAGGATGCCACCTAGTCGCAGGCCCGGCGGCGCCACCAACAGCGACCGCG
GTAGTCCAGCTCGCGCCGCGTCCCGGCCAGCCCGGCCGGCCAGCCCCGCCCGCGC
CCAGCCCCGCCCGCCCCGCGCCAGCCAGCCCCGCGGCCCGGCCCGGCCCGCGCGC
CTCCCGCGGCCCGCCCCGCCCGCCAGTCCCCGCCCTCGCGCTTCGTTTATTCCTC
CGCGCGCTGGGACAGGCTGCTTCTTCGCCAGAACCAACCGGTTGCTTGCTGTCCAGCGG
CGCCCCCTCATACCGTGCCTATGCCGGAGGTCTGCTTCTCGGGACGTGGCTCCCAAC
>EP73552 (+) Hs FUS; range -499 to 100.

GGGCCAGTGTGCTGCCGACGAGGGAGGCTGGAGCCGCGGGGACGAGGCGCCCCATACAGC
GGCAAGAGGGTGGAGGGCAGGAGCTCGCCATCCTGGGTGAAAGCGGGGCCAGCGAAGGG
GCCCGGCCACAGGAATCTCGTTCCACCCCGCTACTCCCGGCTGTGACTCCAGTTTCGTC
CCCAGCCGCCGGGACCGCCCCCTCGCCCCCCCCAGCGGGCACTCAGGCCGTACCACTG
TGCCTTCATGGGGGTGGAGATAGATCGTGGGCTAGTCCTGCCGAGGAGAGAGGGGTTCTT
CCTCAAAAAATATGATTATGTATAGTATTCGCATGATTCTAGTTAACTTGTTTCCCTTCT
GCCTGCTCGGACCTCTACCTGCCCTACGAAGGGGGCGGAGTGCCTTCTGCTCCCCCT
GCTCTTCGCGTTTGGTGCAGCCTGCGCGGTGCGTAGGCGGCGGAGCGTACTTAAGCTT
CGACGCAGGAGGCGGGGCTGCTCAGTCCTCCAGGCGTGGTACTCAGCGGTGTTGGAAC
TCGTTGCTTGCTTGCTGTCGCGCGTGCAGCGGACATGGCTCAAACGGTAGGTAAGGGC
>EP73553 (+) Hs NDUFB1; range -499 to 100.

TTTTTTCACATTATTATATATATTTTTTTTACCTATTCAATAAATGTTAATACTTGTGGAA
GAATTGTGGAATCAAACTTTGTCCTTTTTTTCTTTTAACTTTTTTGTAAATAGAGACGG
AGTCTTGCGTGTGGCCAGTTGGTCTTGAACCTCTGAGCTCAAACAGTCTGCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTAGGATTAAGGCGTCAGCCACCGCACCCGGCCCCAAACGTTTA
AACAGATGTATTTCAGAACTTTCAGATAAAAAATGAAAGTAGGTTTCTCGTGCCGTGTCG
TTTAGGGAAGACGGCGACGTGTCACAGTTTAGTTGTGACACCAAGCAGTTGTTGCTGCC
CCGAACCTGGATGGGCTCCGAGGGCGCAGTGCCTCCAGGAGCCGCCAGGGGCGCCACCG
CCGGCGGTGCCCCGACAGCGCTGCCGTGTGCGTGCCTGCGCGCCGCCGAAAGGAACCTT
GGTCCGGAGGCGGCGCGCAGTGCATCCTGGGTTGGCGTAGCCATGGCGTCTCGTGTCTT
TTCAGCCTATGTCAGCCGCTGCCCGCGGCTTTGCGCCGCTGCCCGGGTCCGGATGCT
>EP73554 (+) Hs NDUFB9; range -499 to 100.

ATATGAACGAATGAATGCTTGAGTGAATTGGTCCCCAGAAGCGGTGAGCCTCTCCGCCAA
GGCAGAGGGGAAGGGCCGGGAGGTGCACGTGGGATGAATGGAACATAGTGATTGGCCTT
TTTGGAGTTTCTTCTTAAAAAACTGAATACATTACAGATGTTGAAAACAGCACAAAAAT
CATAACTGTACGGCTTGTTAATTTTTACAAATAAATACACCCTCGTGAATCCAGAACCTA
GATCAAGAACCAGAGCATTACCAGCACCCAGAAACCTCCCCGCGCCCTCCTCCACTGAGC
GGCCCTTTCAACCTTACAATGCCGAGGGCGCAATTCTGGGTCTGTGACCTTGGTGA
CCGACGCCCGGGACAAGTCAGAAAGACCAAGGGCGTGGAAAACGCTCCTCTTACCGATA
AACTTGAAGCGACTCATGACTGCGCATGGAGGACCTCCCCAGCGGAAGCGGAAGTGGCCG
CCGGCAACTCCGCCCTTCCGGCTGGCCCCGCTCAGTCACCCGACGAGCGTGCAGTTTC
CCGGCTCTCCGCGCGGCGGGGAAGGTGAGCGCGTAATGGCGTTCTTGGCGTGGGACC
>EP73555 (+) Hs PFN1; range -499 to 100.

CGACCGCCCCATGCACTCCCCGCGCGCAGGCGCAGGCGCGGGCACACGCGCCGCCG
CCCCCGGTCTTCCCTTCGCGGAGGTGGGGGAAGGAGGAGTCATCCGTTTAACCTG
GGCTCCCCGAACTCTCCTTAATTTGCTAAATTTGAGCTTGCTAATCCTCCTGCTTCT
CCTTCTTCTTCTTCTGCTCACTCCCTGCCCGATACCAAAGTCTGGTTTATATTGAG
TGCAAATTGGAGCAAACCTACCTTACCTCTCTCCCGCACCCCCCATCCTTCTGCAT
TGCTTTCCATCGAACTCTGCAAAATTTGCAATAGGGGAGGGATTTTTAAATTTGATTT
GCAAAGTTTGGTGTCTGGGCTGGCGAGTGGGGGAGGGAGGAATGGGGAGTAGGCCCGC
CCCTACCGTCTTTGCAAAATAAAATCTAGCGGGGCGGGGGGGGAGGAGCAGGAAGTG
GCGGTGCGAGGGCTGCTGCACAGCGAGCGGAGCCGCGGTCCGGACGGCAGCGCTGCCCG
GAGCTCTCCGCTCCCCCGCGCCGAGCCGAGGCGAGCTCGAGCCAGTCCGCGGCCCA
>EP73556 (+) Hs HIF1A; range -499 to 100.

CAGCACTGAGGCCGAGGAGAAAGAGAGCAGGAGCATTACATTACTGCACCAAGAGTAGGA
AAATATGATGCATGTTTGGGACAGGCAACCGAAATCCCTTCTCAGCAGCGCTCCCAAA
GCCGGGACCCGCTTCTTTCGGAGAAGGCGCAGAGTCCCAGACTCGGGCTGAGCCGCAC
CCCCATCTCCTTCTTCTTCCGCGCTAAACACAGACGAGCACGTGAGCGTCGCAGC
CCGTCCCAGCTGTGCTCAGCTGACCGCTCCTGATTGGCTGAGAGCGCGTGGGCTGGG
GTGGGACTTGCCGCTGCGTCGCTCGCCATTGGATCTGAGGAACCCGCTCCACCTCA
GGTGAGGCGGGCTTGCGGGAGCGCGCGCCGCTGGGCAGGCGAGCGGGCGCGCTCCCGC
CCCCTCTCCCTCCCCGCGCGCCGAGCGCGCTCCGCTTGGCCGCCCTGACGCTG
CCTCAGCTCCTCAGTGACAGTGCTGCCTCGTCTGAGGGGACAGGAGGATCACCTCTTC
GTCGCTTCGGCCAGTGTGTCGGGCTGGGCCCTGACAAGCCACCTGAGGAGAGGCTCGGAG
>EP73557 (+) Hs HRMT1L1; range -499 to 100.

TTCTGCTTCACTTATCCAGAAGAAAGGACAGAGGGCGCACACTGCGCAGCGCGGATGGGA
AAGTTAACTGAATTATTTGCGGGAAGACAGAGGAGGTGGGGGTCCCCAAGCCCCAGCC
ATTTTGTGGCTCGTAGGGGTGTCGCTTCCAAGCCGTGAATGGCCAAACCCGCCCCCG
GCCCCAGGTGCGACTCTGCCCCGCGCCCTCTGGGTGCGACCCCAAGCCGAGCCCCCA
ACCCCGCGGCTGGGCTGGGCGATTGGGGACGAGCTCCACACATGGAGAACCTGGCCTCGC
CTCGCAAGACCGCGGACGCGCAGATGTGAAGTGCCTGCGCGGGGCGCAGCCCCAGCT
GCAGACGATCTGTGAGCGACGCGCGGCGCAAGTCGAGGGCGGTGGCTTGGCTTCCCTGG
AATGGGGGACGCTTAGGACTGCGCTGCGCGGGGCGCGGGCCCTGGGCGGGGCTTCC
CGGCTGACGGCTGCGTGCAGTGCCTTGCAGGGGTGAGGGCGGTGGCTCAGGCTCCTG
GAAAGGACCGTCCACCCCTCCGCGCTGGCGGTGTGGACGCGGAACCTCAGCGGAGAAACGC

>EP73558 (+) Hs ANXA11; range -499 to 100.

GTGAGGTCACCTTGACGGCTGGGTGGTTTGTGAGGTTTCTCCACGATAGTCACTGACCG
CTCCCTTCTCACATACTGTGCGTGACCTTCCCCCTCCACCACCACCGAGTGTTGCTAT
AAAGGAAATGCGTTTGACCTTTTCAAGTGTAAAAAGTTTTCTGACCTTAAAGAGAGTCAC
TAACCGACGCACACGGGGCTGGAGAGGACTTAGGAAATGCCACCCCTGCAGGAGGGCGA
ATGCGGCTCTGCGCGGCACTGGGCGCCGAGGGGTTAGGGGCGGCAGAGGGACCTCCGGA
GCCCAGAGACTTCTGGAGCAGCTCCGACGCCGAAGGCTGCTGCTCCTGCGGGGCCCGCC
GTGCCCAGTCTCATCTTGGGGGCGGGGCCGCGCTCAGGCCCCGCCCTCCCTTGCACTG
CCTCTGGCACCTGGGGCAGCCGCGCCCGCGGAGTTTTCCGCCCGGCGCTGACGGCTGCTG
CGCCCCGCGGCTCCCCAGTGCCCCGAGTGCCCCGCGGGCCCCGCGAGCGGGAGTGGGACCC
AGCCCCTAGGAGAACCAGCGCGCCGCGCCGGGACGCCCGCGGAGAGAGCCACTCCCCG

>EP73559 (+) Hs CTS1; range -499 to 100.

CCTTAAGTGGGAGATAAGGCTTCTGCCCGGGGCTCTGCGTTTGTCCACCCGGCCCCACG
TTTGCTGTGGACTAAACAGGAGCCACTGGACTAGAGTACACTTGACTCTCGGCTCTGCGG
ACCAAAAATTCCAGGACTAAGGAATAGCAAGGTTAGGCTGAAACAGTCCACACAGGGCTT
GCGGTAAACGTCTTTTCAAGGACCACTGCCAGTGCAGTAAGTCGTGTACTTAGTTGAC
TCGAGCGCTCCAGGGAGAGCCCCGACCTACTCTGCGCCCGCCGGGGCACCAGCTCTGC
TTCTTCCAGGTCCACTGAGGCAGGCACGCCAGCTCTGGGACAGTCAGTAAACAAGCCAC
GAACCGCGCCAGGGATCAGAGCACCCAGAGTCCCCGCCAGCTGCCGGCACAGCCAATCG
CAGCGCAGCCAGGCGGGCGGGGCGGTGCCGGCCGAACCCAGACCCGAGGTTTTAGAAGCAG
AGTCAGGCGAAGCTGGGCCAGAACCAGCGACCTCCGAACCTTGAGCGGCATCCGTGGAGT
GCGCCTGCGCAGCTACGACCGCAGCAGGAAAGCGCCGCCGCGCCAGGCCAGCTGTGGCCG

>EP73560 (+) Hs B2M; range -499 to 100.

ACCCAGAGAATGGAGAAACCTCGAGGGAATCCCAAGCTGTAGTTATAAACAGAAGTTC
TCCTTCTGCTAGGTAGCATTCAAAGATCTTAATCTTCTGGGTTTCCGTTTCTCGAATGA
AAAATGCAGGTCCGAGCAGTTAACTGGCTGGGGCACCATTAGCAAGTCACTTAGCATCTC
TGGGGCCAGTCTGCAAAGCGAGGGGGCAGCCTTAATGTGCTCCAGCCTGAAGTCCTAGA
ATGAGCGCCCGGTGTCCCAAGCTGGGGCGCGCACCCAGATCGGAGGGCGCCGATGTACA
GACAGCAAACCTACCCAGTCTAGTGATGCCTTCTTAAACATCACGAGACTCTAAGAAAA
GGAAACTGAAACGGGAAAGTCCCTCTCTTAACCTGGCACTGCGTCGCTGGCTTGGAGA
CAGGTGACGGTCCCTGCGGGCCTTGTCTGATTGGCTGGGCACGCGTTAATATAAGTGG
AGGCGTCGCGCTGGCGGGCATTCTGAAGCTGACAGCATTGGGGCCGAGATGTCTCGCTC
CGTGGCCTTAGCTGTGCTCGCGCTACTCTCTTTCTGGCCTGGAGGCTATCCAGCGTGA

>EP73561 (+) Hs CLK1; range -499 to 100.

TTGAAGCCATCTGACGCTAGTGGTATATTTTATTTATTTATTTATTTTATTTTATTTAGAGACGGGT
CCCCTATGCTGCCAGGCTGGTCTCGAAATCCTGGGCTCAGCGATCTGCTCGCCTCGGC
CTCCCAAAGTGCTAGGGTTACAGGCGTGACCCACCGCGCCGTGAAGTATTAGTTTTAAAG
CAATTGTTTTAGTGGTCGCTAACAGGGTACATGCTACTGTGTATACTGATTCCCTCACTT
TTCCTTGTTACAAGTTGTTCTTCTTAGAGTTCAAAAATATCAGTGAGTGGGGACA
ACACGCCGACGGCTTCTTTATCCGCCACAGCGGGCTCTGGTTCCCTCCCTGGCGCCTG
CGCCACGATGGTGCAGCGCGGACACGCCCGCCCTTTCCGCTGCTCGCCCCGTGCATG
ACCCGCCCGCGCGGAGACGCGCTCGCTGCGTCATCAGTGTTTTCGAGACGAGTCTCGA
CGCAGCAGCTGTGAGTCCATTTTGTGTTGGTGCGCGACGAGTCAGCTGCGTGATTCC
CGTGATTGCGTTACAAGCTTTGTCTCTTCGACTTGAGTCTTTGTCCAGGACGGAAGA

>EP73562 (+) Hs CNN2; range -499 to 100.

TGGCCCCCTTCTGAGGAACCTGCCCTGGTTCCCTGGTCCACCTCCCAGCTAGTAGAGTT
CCCTGGGAAGGGGTTAGACGCTCTAAGTGGCAGAGAGGGGCCCTCATTCTGCCCAA
GGTAGCCTTCTCCCTCCCTTTCTGGCAGAAGAGAAGTCTGAGATGGAGAAAGAGTGAG
AGCCGCCCCAGAGCTCTGAGCAGAGAGCCGAGGAGTGCCACGTCCCGCGCGCCTCGGC
CCCTCCCTGCTCAGTTTCCGTGGCATCAAAGGGGGCGAGGGGGCCCTCCAGGCCTCTG
GTGACGGGGGTGCTGTGCCAGGCGGGGGTCCGGGGGCGACCGAGGGGGCTCAGGAAGTC
CGCGGCCGAGGAATTCGCGCCTCCAGGCCTTATAAGGACATTTGCGCTCCGGGCCAAT
CAGCGGGGGGGCGTGGCGCGCGGAGCCCGCGCGTCCCAACCCGCGCCAGCCGGCGG
TCCCGTCCCGTCCCGTCTGTGCGGCCCGTCCCGCGCCCGCCGCGCCAGCCATGAGCTC
CACGAGTTCAACAAGGGCCCTCGTACGGGCTGTGCGCCGAGGTCAAGAACCGGGTGAG

>EP73563 (+) Hs ELF3; range -499 to 100.

ACTCCTCTCCCTACTAGGCCTCTTTGTTGCTGAATCTCTGGAATTTAGGGGCCAGCAGCT
TTCTGACTCAGGTCAGCCAGGGGTTATGTTCCCTCACTTGCCCTCCCTGCTGCCCC
ATCTCTGGCCTGGCCCCCTGGGAGGAATTTCTGGGCCAGAGGGCAGCCGAAAGCACAGAT
GCCCACCCAGCAACGTTCCCGCCACCTGCCAGGCCAGTGCCCCGTGCCCAACCCAGA
GGGTGCGGGATGACAGACTCTGACAATCATTAACAGCCGGGCTGATTTCCAGCACT
GCCTGCTAAGATCCGGGCCAAGTGGCACTGAATATGCAATCACCTGGGGCCAGGAGCCC
AGTCTAAAGGCCAGGAAATCCCTCCATCCAATGAGACACCAGCTCAGGTTACTGCAGGG
GACACACTATAAAGCCCTGAGCTCAGGGAGGAGCTCCCTCCAGGCTCTATTTAGAGCCGG
GTAGGGGAGCGCAGCGGCCAGATACTCAGCGCTACCTGGCGGAACGGATTTCTCTCCC

GCCTGCCGGCCTGCCTGCCACAGCCGGAAGTCCGCCACTCCGGTAGGATCCCCGCCTGTC
>EP73564 (+) Hs STOM; range -499 to 100.

CTTCGGCCACTTCTGTGTCCCTCAGTCTTCTCCCTCAACTCGACCTCGCGCCCTCATG
ACAGGGCGCCATTTTCTTCCCTCTAACTCCTCAGCCCAGAGGAGGCGCCTTGGTCCCGTA
CCTCTGCCCGGCAAGGCGACTTTTCTTCACTTGACTTTTGCTCGGGTCATCCTCTGCT
GCTACCTCCCCACTATCCTCACCATCTGCTCCACGTCCCGTGGCTTCCGCCCTCCCTTCC
GGTGCAGGGCCCCGGCCTCATACCCACAGCCTTGGGGGCTCTCGCCCCCTCAGGCCACGCC
CCTCAGGCCACGCCCTCAGCCCACAGAACTAGCGGGAAGTGAAGTGCAGAACAGTCGCGC
CGTGGAGGGACAGGAGGGCGGGGATTGGGAGGTGGGTCTCTCGATCCTGGGCGTTGAT
TGCCCAACTCTCACGAGGGCGGGACCTCGATTGGGGGCGGGGCGGCAATCTGGGTCTTGT
GCCTCTGGCTCCTCAGGGCATTCCCGGGCGGCTCCGGGTTTGGCAACGAGGACGGGGGAGT
GCGACTGCGTCTCGGGCAGCATGGCCGAGAAGCGGCACACAGGGACTCCGAAGCCCAGC
>EP73565 (+) Hs FDF1; range -499 to 100.

CTTTTCACGGTTTTAGGCTCTACAGAGAGCGGCTGCAGAGCTCACCCGGCTGGCAGGAGC
CACCGAGGCCGACACGTGGGCGACTTATTGACCAAGTGGGGAGGAAGCAGCCCCGCACT
GCTCTCCCGACTGCGGACCACGTTGGGCTCCTGCGCATCTAAGCCCCACCGCCTCACC
TCCAGTCCCCACAGCCTTCCGCTCCAGCCGGGGTAAGCGGAAGAAAAACAAAGGCCCGG
CTCCATCAGGGCACCAATCCCGCTCGTCGGCTCTTTCTCGGCTCCAATGAGCTTCTAG
AGTGTATACGCCAGTCTCCTTCCGCGACTGATTGGCCGGGGTCTTCTAGTGTGAGCG
GCCCTGGCAATCAGCGCCCGTCAAGCCACCCACGAGGCCGAGCTAGCCCCGCTGGCG
GCCGAGGCCGGTTGAAGTGGGCGGAGCGGCGGGGCGTGGCGTACTAGGCCTGCCC
CCTGTCCGGCCAGCCCCCTGAAGCACCTACTCCACAGGTCCAGCCGGCCGGTGAAGCGCT
GGGGACCGCAGAGGTGAGAGTCGCGCCGGGAGTCCGCCGCTGCGCCAGGATGGAGTTC
>EP73566 (+) Hs GTF2F2; range -499 to 100.

CTTCCGGGTTTTGGAACTGAGGTGCTCCGCTTGCTTCATCAGAACAGCTCGGGTAGCCT
CTGAGCTGAAACACGGCTTTTTTTTTTCCAGGTCTAGAAACGGCATGTTTTCAATATACC
CAAGGCTACTAAGTTTGTATCCAGTGCCCATTTGTGCTAATGACGTTGGCCAGGGACGCC
AATTTACTACCTGACCCTGTCTTCAAATATTGTCTCTCTCTCTTGGCTAGGGTTGGA
CATGTTCTGACACCTTTCTGTCTTTGAACCCATTTTTCCGTTCTGATAATCTTTTTCT
TCAGTTATGTGACCATGTCTTTAAATACATTGCTAACGTTTTAGTCTATCCACCTAC
GTTTTAATCCCTCAGATGCAGACATCGCGGACAGCCACGCCCACTCAAGAAATTTCCGAA
ACAGAAAGTTTGTCTGCAACAGCGCGCCGTACTGACGTAGCAGTGCAGGCGCAGTCCC
GGCTCCTGGCGCGTGTCTCTTTCTCGGTTCCAGTGTCTGCGCAGGTAAGGAACG
CCGGCTCTTCCGCTCTCAGCGCGGCTTGTCTTTGTTCCGGACGCCGCTCCTCAGCCCT
>EP73567 (+) Hs GYG; range -499 to 100.

TTCACTATATTTTTAGGTTAAGGGTACAAAACATTGTGAGTACACTAAGGAATGATTA
TAGAGGCTGATCGAAATTTCTGCAAAAAAGCGTAAATTTTACGTTTCATTCAAGCAGTTC
AGACTCACGATTTTAACTAGAGTAATCTGGGGTTTGTGTTGTTTTTAAAGTTCCCT
AACCTTTGGCTTCTTGGGAGTTTGTGCGCACTCAGCCCCAAAGTCCCCCTTAAGTCC
CAGGTTTATGCGCGACAGGGGCGCGCGGTTGACAAGGGCAGGCGCCCGGGGAAGTAGG
AGCAGGGGCGCCGGTGAGCCGACGCGCAGCGGCGAGCCTAGCCCCGAGGGAGGGAGGAGG
AGCCGAGGGAGACGCGGGACCCGGAGCCCCGCGGGCCACGCCCCCTGCGGCGCGCAGC
TGGGAGGATGCGGACGGCAGCGAGAGCGTGCGCGGCCACGTGACGGCCGCTATAAGAGCG
CACGGGGCAGACGCTCGGTTCCCCCGCGTCCCTCTCGCTGGCCGCGCTCCCTCCCGGTG
CCGGCTTCTCTGAGTACCAACCTGAGGCTGCCCCGGCCGCTGCGCACCCGGCAGCACC
>EP73568 (+) Hs CITED1; range -499 to 100.

TCCAAGACAGCCCTGCAGAAAATAATGACCATTCCCCCGTCTCGTGTGCGCCCCGCTCT
TCCAGGTCACTCCTTGAGCCACAGCTCTCTCCCAAAACCCCTGAAGCCCGTTTTGGCCC
CCGACTAGATTTAGGTAGAAAACAGACACTAACGGCTCTCCTTTGCCCTCAGTGAAATTA
CTAAGTGAATTTATTGGCAAGTCCACGCAAGGCGGTGGGGAGAGCCGGTGTCCCGGGC
CCTGGCCCCGACAGCTTTAGAAGCCGGGCACTGGCCAGGGCTCCGGGCGAGGGCTGCCC
ATAGCCCGGACTCGCCAGCCCCACCCGGGAGCCTTGCCGGGTCCACAGGGCTGCCGGAC
TCGCGTGGCCGCGTGGACTCCGTTCCCGAGCCGGCCCTTTGCTTTCACACGATCCGCGGT
GACTGCACAGCTCGAGCGCTTTAAAGGGCCACAGACGCCAGCCGCTGCTATAAAATG
TGCCCCGGCGGAAAGCTGCAGAAAGGGGACCGCTGAGCTGCCGAGAGGAAGCTCGCTCTG
CCCGGCTGCCCTCTGTAGTCCGCCGGCGAGGGGCACTTCTCGGTGAGGAGGAAGAGAGC
>EP73569 (+) Hs NAP1L1; range -499 to 100.

GGAAGGAAAACGGTTACCGGGGGCGGGCGAGTTGCAGGAATTAGGCCTTGACAGGGAGCG
TCCGCCGTCTAGGCTGCGGCGAGCGAGGGACAGGCGACTGGCGCCAGCCCTGAGCGTTC
CCAGCACAAACGCCGAAGGGGGCGGGGCGGGCGGGCGCCGGGACGCGGGCCAGGCCTTC
CCCACAACCTGATGGGGTTGAAATTTCTTTCCGGCTCAGCAGGGAGAAAAGATATGGTGG
GGTGTCTAACAGAGGAGGTAGACACCGCGGGGAACAGAGGAGCCCAAGCGCGGCGCT
GGGCTCGGGGCTGCAGGAGTCTCGGTGGGGGTATGGAGGTGCGCGGGGAAGGAGGACG
GTTCAATTGCTAGGCAACCCGGCCTGGACCGCCTCTCGCTCGCGTTGCTGGGAGACTAC
AAGGCCGGGAGGAGGGCGGCAAGGGGCCCTACGTGCTGACGCTAATTGTATATGAGCGC

GAGCGGCGGGCTCTTGGGTCTTTTTAGCGCCATCTGCTCGCGGCGCCGCTCTGCTCC
TCCCGCTGCTGCTGCCGCTGCCGCCCTGAGTCACTGCCTGCGCAGCTCCGGCCGCTGGC
>EP73570 (+) Hs NDUFC2; range -499 to 100.

CCGAATCTGAATTTCAACAATAGACTAAAACGATCCAGTCTGGGCTTCTCTAAATTCTT
TTGTTGCTGGCCAGACCTTAATTTTAGGCTTTGGAGGGAGTGTCTATGCGAATGAACGAC
TGAAAACTCAGAAAACGAAAAGTCTTTATGGAATTTCAATTAATTACGTTTATCAAA
ACTACGCATCATGCCATTTGTGGGTATTGGATGAAAAGATAAATCTTCCAGAAGGGGC
AGGGGAGGGAGAGGCAATTCTGGTTGGGGAAGTTGGGAGAAAAGAAAATCAGTATCTCCT
AGTCTTCGCCCAGTTTGGCTCGTTTGGGGTACTCCTCGACCCCGCTTACCAGGCCCCGTG
AATCCCACTCCACCAGAGAATTAGCGCGGGCGGACGAGCAAAGTGAAACTTAGTAGCCC
GGAACCTCGCGTGCCGGGTTCCCGCAGCAACACGTACCGGGAAGCGTTTGGGCGCTGCAC
CGCGCTGCGCCGTGCCCGTGAGTCCGGCGCGCAGAGGAGGAGGAGAAAAGCTGACCGCTTA
GGCCGGGGTAGTGGTCTGCTGGTTCCTTGTAGTTCGTGGTCTGAGACCAGGCCTCAA
>EP73571 (+) Hs NDUFS2; range -499 to 100.

TCCAATCTCAATTTATGACATCTGGAATTAGCTGGCTTTCCCAACTCCTGTCTTTTGA
TTCAGTGTAGGGAAAGTAATTGGCAAAGCTGGGGCTACCCTATAAGGGCAGGGCTCAGA
TACAATCCGAGAGCAGGACTAAAGCATGAGGGCGGCCAAGGCGGAAGGGAGTAGGGAAGG
AAGCGCCGCGCGCTTTCCAAGATACGCAGGCGGGCTCGGCGAGAGAGCACGGAAGTATCTGC
CCCACGCAGGAACGGCAATTTTCCCTTGCTCGCTCCTAGAAAAGCCAGCCAGGAGCTGTG
GGAGGAAACGCCCTCAGTAAAGATGACCGCGGTCACTGTTATCTAAACGCAAGTGAAGCC
GAGTCACAGGACCCGGATGTTGTGAGTTCGACGGTAAACGACCCTGCCAGCTTCCAAGAG
GGCGGCTTCACTGTGCGAATAGGTGAGAAGCCAAGAAGGAGGCGCGCTGGAGTTACTTCC
GCCCCGTTTCTCTTCCCGCAGTCTGCAGCCGGAGTAAGATGGCGGCGCTGAGGGCTTTGT
GCGGCTTCCGGGCGCTCGCGGCCAGGTGCTGCGGCCTGGGGCTGGAGTCCGATTGCCGA
>EP73572 (+) Hs DRG1; range -499 to 100.

GGAGTAAACAAAACCGACCTAAAAATAATTTGAATGATAGAAAGGGGCATTTTCTTTA
TCCAAGGGGGTGAGGCAGGCTGAAGATGGGTCTCTACTCCCTCCAAGACCATGGAGGGCG
TCGGGGTGTCACCCAGCTGTGAAAAAGGGACCCAGGACCCGAGATGCTGGCGAGGAAC
AGGGGTGCGGAGCATGAGTCGGCTTTGCACCACGCCCTGGGGTCTCCAGCACTGAAGCGT
TCAGTACCATGCAGAGCAGCTGGGAGCGGGTCCCGCTGGGCGGGGCCGAGCTGCGCGCGA
CCCTCGGCGCGCTCGGGGAGGCCAGACAGGGGTGGCCTCTCTGGCCTCCGCTCCCGCGG
GCTCTATGACACCGCACTGGCTCGCGGGACGGGCGGGGTGGGTGAGGGGGAGGAGACA
GCCCCACGCTTTGCGACTCGCGGTGACCCCTACGCGGAACTCTCTCGCGGTAATTCGAAG
TACCCGCGCTGCGTGTGCTGCAAGTAGCGCCTGGTGCGGTTGGCAGTTTGCCCGCGGGTGTG
GAAGGGAGACAGTGTGGAGGCCACAGGGTACTCGCCACGATGAGCAGCACCTTAGCTAAG
>EP73573 (+) Hs SFRS10; range -499 to 100.

ACCTTTTTTAAATGAAGACGTATTCAGGAAGGAAATATCTACAAGTAAGACAAAATTAAG
TAAGAACCCAATGTACGAACATTCATTCTCTAACAAGGAAAGACACAAAACAAGAAAC
TAATAAGGCGGAGAAAGGAATTGAGATTGGGGGAAACAGCATCTCCTTCTCCTGCACA
CTCGGCAGGTTCCCTGGAAAGTTCTAGAAGGGATTGAGAGTGCTGGTGACATCACTGT
GGCTCCGTGGCGCCCACTACAGCAGCCAAACGACACGCTAGCTTTCCCGCCTCATAGAGG
CTCGTGAATGGGGGTGGGGCCCTGCGAGGGGCGGGGTACGTCACCTCCTGTGCGGGACG
CGCTGCAGCTGGAGAGGAAAGGCAGAGCGAGGAGGGGCGAGGCCAAGAAAGCGCGCGTTT
CTGGGAGGGGAGGAGCCTGGCTAAGGAGCGCCGCTCACATCCGGTAGAGTTAGAGCCCG
TGCGGAGGGCGGTGCGGAGCATTTCGGCTCTGAGCGGTGGGCGACCGGCGCGTCTGCGG
GGCTGCGGCGGAGCCTCCTTAAGGAAGGTGCAAGAGGTTGGCAGCTTCGATTGAAGCACA
>EP73574 (+) Hs PET112L; range -499 to 100.

GAGAACTGAGCTGGCATTACGGTAGGCATGCAAATAAGTATTTGTTGCATTAACGCACA
AATTGCTGAGTGAAGCAGGAGTAGACAGAGAATATAACGGATTGGGTTTGGGGGCTGA
GGAAGTCTCTGCTGAGCTGTCAAGGTCATTTACTTCCCCTTGCAAGGTTAACTGGGTTAT
AAAATCCCGGCCACGCTTTAGCACCAAGCATCAAGCGCTCACACTCTAACTTATACACAC
GCTCACAGCCACAACTCTCCAACCTCCCGCTAGGAGGAGTACACCTCCCCACCCAGA
AACCCTCCCACCCTCTCTCTATTTCTCTTCCCTCCCTCTCCGCGGGGTTCCGGCAGG
CTTCGAATCACAATGCTCGCCGGGAATAGTAGTCTTCCGGTCCGAGCCTATGGCGTTTTT
AATGCATTTCCAGAACTACGTTCCAGGGAGCCTCGCGGCATAGTGAGGCTGAGTCACC
TGACCAAGACCCTGGAGTTACAATGGCGGCGCCCATGCTGCGCTGGGGCTGCCGTGGAAG
ACGTTGGGCTTTGCGCCGGGTTGACGGTGGTCTTGCCACCGAAGAGGGGCTCCGACTGG
>EP73575 (+) Hs PIGH; range -499 to 100.

TCTCTACTAAAAATACAAAAATCAGCAGGGCGTGGTGGCGCGCGCCTGTAATCCCAGCTA
CTCAGGAGGCTTAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCCGGGGGAAGCAGGTTGAGTGAGCCG
ACGTGCGGCCATTCCGTCTCAAAACAAAAACAACTGTGGGTTTGTGTTGAGACAGGGTC
TTGCTCTCTCGCACAGGCTAGAGAGCAGGGGCATGATCTCCGCTCACTGCAACCTCGACC
TCCCAGGCTCAAGCGATCCTCCCGCTTGGCCTCCAGTGCTGGACTACAGGCCTGAGTC
AACGCGCCCGGTCTAAAAACGATTTTAACTTTTCCACTTAACTATTGCCCCGACGAGGTT
TTTTCGAAGACAGTCAAGGCCGGCCCGGAAGAACGCACAACCATCAGCCCCCAGCAGAGC

TCTCGGCGCGCAACTGAGGCTGCGCAGGCTTAGGGCGGGGCGTGTTGACGCGGCTGCCGG
AAGCGGGTCTGGAGCGGGCGAGACGGCCAGGGCCGGCGAGCGCAGTGCAAGCGCCGCGCGG
TGCGGGCGGGCGAGTGGGGGCGTCATGGAGGATGAGCGGAGCTTTTCGGATATCTGCGGC
>EP73576 (+) Hs RAB5A; range -499 to 100.
CCAGCCTAAATAACAATGGCGCTGGAGAGGGCGTGCCGCGCGTACCTGGGGTGGGGGAA
GGGGAGAAAGGCGGCCAGTTCGGATCTGAGCCACTCGCAGGGTCACGTGACATCCTGCCT
CGCCCCGCCCCGCAACAACTAGGCGGGGAGGGATTTCGGGAAGGGGCGAGGAAGCGGA
AGGAGCAGGCGGACTGGCGATGATGGGAAGTGACGAAGTGCGCAGTTCGCTGCGTGACG
CGACGTGGCGGCGGGGCGGCGACCGGGCAGCGGAAGTGGCTCCGGCGGTGGGACTTGAGT
GTTTGTGTTTTGGTTTCGTGAAGGAGCCGCGGCTGGCCTTAGGGGAGGAGGCAGAGGGAG
GAGGAGGAGGAAGAATTAGTCGGAACCTCCAGCGCCGCGGCGGCGGCGGCGGCGGAGGAG
GAGAAAGGAAAGAGGAAGGGGGAGCGGCGAGAGGCGGAGACGGAGCCCGACAGGGGCGGC
ACCACGGCACGAGCCCCGACAGTCCAGTGTGAGGGGAGCGGCGCTAAGAGCAGGCGACG
CCGCGCGCGCCACCACCACCGCCATAGATACACTCTCATCTACGGGCCACGCTGGGCC
>EP73577 (+) Hs TGM2; range -499 to 100.
GCCCTGTCTTGGTGTGTCTGCTGTCTGTGTATATCTGAGTATGTGTGTGA
GTGTGTGCGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGGGGTGGGGAGGTGTTCTTG
ATCCCAGATCTGAGCTAAGAGTCCACATCTGTGTGTCCAGGTGCACCCGGTTCCGTTGT
GTGTTTCTATGAGGGTGTGCGTGTGTCTGTATCTGAGTGTGTGTGTCCAGGTGTCTGTT
CTCCAAGGTCTGAGTCTGTGGGTCCAGGTGTGTCTGTATCCTGGGCTAGTTGTGTGTCCC
TGTCGCTCCCCAGGGGGCGCCCTCGTCCGGCCGCGCTCCCTCCCTCGGGCTCCGGTCC
CCTGGGTGAGCCCCAGCGCTGGCGGCGTGGGCCCGGGACTGGGCAATGGGTGGCCTCCCA
GGTCGCCGCTTCCCGGGGGCCCCGCCCCGCCCCGCCCCAAAGCGGGCTATAAGTTAG
CGCCGCTCTCCGCTCGGCAGTGCCAGCCGCCAGTGGTGCACCTTGAGAGGTCTCGCCGC
CAGTGGAAGGAGCCACCGCCCCGCCCCGACCATGGCCGAGGGTGAGTATCAGAGTCACCG
>EP73578 (+) Hs TM4SF2; range -499 to 100.
AAAATGCAGAAACGTGACTGATGGGCAGCGGGGCACCCATAAACTTCCCATAGCCAGGTG
CAGGCATACCTGCAAAATGTAACGCCCAACTGTGTACAAAGCAGAAATCTAAATGCCAGGG
CGGACTGGGAGAGGTTCCCGTGACCTCTGACCCGGCCTCTAAATCTCCCATTCCTCCC
CACTGTCTGCCGCGCCCCGTGTGCGCTCGCTGGCCTCGCCTGGCCTCGCCTCCCTCCT
CCGCTGGGGGTCTAAGCCTGCGCAGTATTGCGAACGCGGGCGGCGTTTCCCGCATGCGCA
GTCACTGCCCCGCCCCGGCTTTTTCAGTAGGAGCCCCGCGCGGTGCGCGCTCACGCACGCG
CACGGCTCGCCTGCGCGCTCACGAGGCCCTCTCGCGGCACGCGCCCCCGCCCCGCGCCG
CCCCCCCCGCCCCGCTCTTCCCCCTCCCGCGCGCCGCGCCGCGCTGCCGCGCCGCC
GCCGCGCGCGGAGCTCTGTAGTATGGCATCGAGGAGAATGGAGACCAACCTGTGATAAC
CTGTCTCAAAACCTCCTCATCTACTCCTTCTGTTCTTGGGTAAGTGCCACGCGCG
>EP73579 (+) Hs TM4SF3; range -499 to 100.
TAAGCTTTGATATTTTGCAGATTTCTAAATGCATTTTATTGCATTTAGAAGGAATTTTGT
AGTATTGAGAAAATGCAATGCAAAAATGAGTAGAGATACAATGTCCATTTAACTCAGAAC
AAAACAACCTTATTTCCCATAGTTGAAATGGAGGGCGGGGAAGTCAGGCAGTGGTTTCT
GAAAGCCAAGAACTTAGTAGCACTGTGCCATTCTCTTGCCTGATCCAGTGCCATTCCCTT
CACTTGATATCTGTTTACTTTAGAGGAGGCAGTTTTTGAGAAAGGATCATAAATATCCTG
GCCAGTGCCCCAGGAGCTATGACAAGCAAAGGAACATACTTGCTGGAGATAGCCTTTG
CGATATTTAAATGTGTGAGTTAATAGCCTTTGAGATATTTAAATGTGTGGGTTAATAGCC
TTTGCGATATTTAAATGTGTGGGTTAATTTTTTTATCCAGTTTAATAACTTTTTATTCTT
CCCTCTACTTCTTTGCTTTCTTTCTGCTCTGAAGCCGTGGATACAGAAATCTCTGCAG
GCAAGTTGCTCCAGAGCATATTGCAGGACAAGCCTGTAACGAATAGTTAAATTCACGGCA
>EP73580 (+) Hs TSN; range -499 to 100.
GACATTAAGATCTACACAGAAAATTTTCGCTCCCAATCCATTCCCTACTCACAGTCCT
ACATACGTTACTTTTATTTTCTTTTTTTTGGAAATGCACTGGCCCCCTACTCTCTCACG
AAGGCTGAACCTCTCTACATTCTTCTGCACCTGTTTTTTGTGCATACTCTTTCGTTGTC
AAATATTTCCCTCCAACCTGTTGTGTGTATGAAATAAATACACACATATAAGCTAACCAG
CCCCACTTGCCCGCACCACCTACACGCCCGTCCCCGCCCTCCCTCAGGCCACGTGCTCC
GAGGGCCGCTTTCGAGGTTGTTTCTGGCGATGCCTGTCTGAAGGCCTCAGACTGAGGCC
CCGCCCCTCTCCCTCTCCTCTGCCCTTTGGACGCGCGCCTCGGTTCCGAACGCAGCGGA
CGGCGCTCAGGCAGCGCGGCGGACAGCCCGTCTCCGCGCGCGCGGAGCCTCGGAGGA
CCCTAGCGACGGTCTGTCGCTAAGACCGGGGGGACGCGCGGTAAGCGCGCGCGGTTGCGA
TTGATTGCGCTGGTTGCCTGCGGCGTCCACTTCTTGGCCGCCCTTGCTACACTGGCTGA
>EP73581 (+) Hs DNAJA1; range -499 to 100.
ATGCTATTGGTCTGGGGACTAGACCCACCTGGCTCAAGCATTTTTTGCTCGCCACGTTCC
CAAAAAGAGAAGAGGCGCCCGTAAGAGGGGGGGGGGGGGGCAAGACTGTTCCAAGAGC
TTTCCCGTTACACACAGCTCCCGCTGGGTCACTGTACTCGAGCCCTTCCCGCCCTCGCG
GGCCCAGGCGCCACCCACAGGTTTGGGAACCTAGGACTTGCAAGTGTCTTGGGCCAT
GCCCCACAGCCGAGACTTCCGCACTCTCAGGCTCGCTGAGTGGAGAAAAGGGCTCCAG
AAGATTCCACGAGCGCCGGGAAGCCGCGCTAGCACCAACACCCACAAGGCCTTTCGGCGC

AGTCTCTCCCGACCCGTGCGCCCCCGCGCCGTTGCCAGGTAACGGCGGGGCGGTGGCAG
CGGCCGAGAAGGCGGGACTTCCGGCGGGTGACGCGCCCGGGTTTCGGCTACAAAAGAGGA
CGGCTGCGGCGCGCCGGGCGGAACCTTCCAGAACGCTCGGTGAGAGGCGGAGGAGCGGTA
ACTACCCCGGTGCGCACAGCTCGGCGCTCCTTCCGCTCCCTCACACACCGGCCTCAGC
>EP73582 (+) Hs EIF3S6; range -499 to 100.

GGCTCTTACTATATCTGAAATTTGTTTCACTTATTTTCTGTCTAAAAACCCACCCTCACT
TTAACAATCGCTTACAAAATGATTAGCGTATGCCAAATGAAAAAGCCTAGATATTCTTCC
CTGTATGTAACCTCCTGGAAAGCAGGGGCTCCTCATGTTGTCTTTGCCGCATCCCAAT
GCAGTCACATTGCCTCAGCAATCAATTCTGAGCTTTCAATAGTTATTAACGGAATAGACT
GCAAGCCACTGACTGGTAATCGAAGGCCAGCATTAGAAAAGAGGATACCGACAAACCTACA
AATAGAGGGATCTGTTTCCGTCACTCGCGCCCTAACGCAAAGGGTGGGACAACCCGCGCG
CATGCGTCGTTGTCTCTGCTCTCCAGGGTAAACCCCGCCCTTTCTTTAGGCCAGTTTT
ACCACAGCACATGCGCAGTACAGGATCTGTCTGTTCTGTTGTCGGCGCTACCAATAAAGT
TTTAGTGAGCACAGACTCCCTTTTCTTTGGCAAGATGGCGGAGTACGACTTGACTACTCG
CATCGCGCACTTTTTGGATCGGCATCTAGTCTTTCCGCTTCTTGAATTTCTCTGTAAAA
>EP73583 (+) Hs AMD1; range -499 to 100.

AACGCTGGCTGCGTTTCGCTTGGGAAAACACACTTTTAAAGATGGCCAAGTACCTCAGC
AGTCGCGGTGAACTGCACAAGATCAAAACCACACGCCAACCCAGCGCTGGCCACCGTCC
CCGCTGAACCCCGCAACACCCCTAAGGACCCACCCATGTTTTCTGCTAATCATTTTTTT
TTTCTAAACAGCTCTGCACAGCCTTTCCTATTCCGTTCCCGCTCTCCCCACCCACTCTG
CGTTTCGATCCGAGGTTTCTAGTCCCCAGCTGGACATCACAGCACCAACTCCCACTCAGGA
GCCGGCCAGAGCCCGAGCCGAGCGCAGTGGGCGAGCTCCCCGCGCTCTCCGCCAGGCCCT
CGGCCAGCCAGCCGCCACTCGGCCGCGAGTGATTGACAGGCGGCAGCAGCTATAGGCCGT
GGAGGTGGGACGATGCGTCACTTCTGCTTTTGGGGGAGCCGGGATATATAAGGGCG
GTGCTCACGCAGCGCTCTCGTTACACAGTATGGCCGGCGACATTAGCTAGCGCTCGCTC
TACTCTCTCTAACGGGAAAGCAGCGGAATACAAGAGACTGAACTGTATCTGCCTCTATTT
>EP73584 (+) Hs DCTD; range -499 to 100.

TGTGGTTTAGGTTAAGTTACCTAAGTTCTCTGAGTCTGTGTAAGATGGGATGGCACTGTC
TACCTTAGCTAGGAGTAAGGCTTGAGTGACATGATGTGTATAAACTTTAACAATGTCTGG
AATCTATAGATGATCAATAAATATTTCTTTTTCCACCTCCTCCTGTGCTGACTCCGCT
TTGTAAGGGAGACAGGTAAGGACACAACAATTTGTAGGCTGGCATAAAAAATCCTATGA
GAAAGCAGTAAATAGATGAAATATTTGGGAACGTGAAGCTATAGGTTTCAAATTCAACT
TCTGAAATAGGAAATTTCTTAAGTTTTACTTAAGACCAGAGACTGTTTAGGGCCCATGT
GCTGTGATTTCTGATTAATGTAGCTGAAGTTGCCATGTTTAGAGATTTAAAGGTT
CAGTGTGGTTGGGTTGAACTGAAAAACAGACTTACTAAAATGCTTCTCTCAACTTCTGTT
TTGTCATGTTTTTCTCTAGACCCAACATGAGTGAAGTTTCTGCAAGAAACGGGACGAC
TATTTGGAATGGCCAGAGTATTTATGGCTGTGGCTTCTTATCAGCACAGAGAAGCAAA
>EP73586 (+) Hs APOL1; range -499 to 100.

AGCTGCTGTGCGGATGACTGTGGCACTGCAATTCAGTCTTGGTGACAGACTGAGACCTT
GTCTCAAAAACATAACCAAAATAACCCCAACGGCATTACAATAAATATACAATAAGCATC
CACAAGGCATGTGTGGGAGACTGTGCTTATGCCGATGGCACGGGCAGGAGTAAGGCAGGC
ATCAGGGGAATGTGGATGCACGGGAGGATGGGGAGTAATCTGCAGGGTCCCATAGTATGT
CAGTGGCAGGTCTTTCTCCTTGAGACCACAGCAGACCCCGACCCCTGAGGATGCGAGGCA
GGTGGGTTGGATGAGAGGGATCTGGATGTCTGGTCTCAGGCTGCTCCTTAAGGGCAGCA
GCAAGGAGGGTGGGCTGGACTGAAGGTGGAGGGGAGCGTGTGCTGTGCTTGGTCATG
AGCTGCTGGGAAGTTGTGACTTTCACTTTCCCTTTTCAATTCTCGGTATATCTTGGGGA
CTGGAGGACCTGTCTGGTTATTATACAGACGCATAACTGGAGGTGGGATCCACACAGCTC
AGAACAGCTGGATCTTGCTCAGTCTCTGCCAGGGGAAGATTCTTGGTAAGTTGGGGACA
>EP73587 (+) Hs TCAP; range -499 to 100.

GACTAGGCACTAGGCCTTTTGGTGACGGCGCTGAGGACGTGGTTGCACTCTCCCTTCTGG
GGATATGCCCTTGAGCCCAGGCAGAGGAGAGCACAGCCAGGGCAGGACCTGGCAGCCCTG
GTACAGAGCCCAGAGGGGGCATCAGTTCCTGCTGGTCTGCTCTGTTTACAGACAAGCTG
CTGTCTCCTCTGCAAGGGGAGTGGGTGGGGCAGAGGGCAAGTGCCAGGGGGGCACAAGG
CTGGGCATGTGGCTGGCATGAGACGGTGTCTGAGTAATGTCAGGCACCTGGAGGCATTGA
CCCCAGGACCTTGGACCCAGACCTCTGACCGGGGGGAGCCAGCGTCCAGGTACCCCAA
CCCCTGCCCTGGGTCCGGCTCCCCCATTAGTGAGTCTTGGCTCTACTTATAGCATCTG
ACACCAGAGGGGGCCGAAAATAGCCCCTGGAGAAGGGGGAGGAGGGGGCTATTTAAAGGGC
CTGGGAGGGGAGAGAGAATGAGGAGTGATCATGGCTACCTCAGAGCTGAGCTGCGAGGTG
TCGGAGGAGAACTGTGAGCGCCGGGAGGCCCTTCTGGGCAGAATGGAAGGATCTGACACTG
>EP73588 (+) Hs STC2; range -499 to 100.

CCTAGGAACTGCTTCAATTTATCAAGTCTCTGGGCTGGGAATCTCACTGAATTCAAA
CGGCGGAAAGAGGAACTTTCCCAACCCGATGTGGGTGTGACGCGAGCCAGGGGCCCCAG
GGACACTGTCCAGAGCACACCGTCCCCCTTAAACAGCAACTGGAGCTTGATTCTGCTCT
TATATTGTACAGTCTTTTCGACCATTTGCCCTGGAGCACCCGCACACGCGCACGCATCTCC
GGCCGCGCTCACACACACTCATACACACGCACGCAAACGCGTGGCCGCCGCCAGGTCGGC

AACTTTGTCCGGCGCTCCCAGCGGCGCTCGGCTTCTCTGTAGTAGTTGAGCGCAGGCC
CGCCTCCCAGCGGTGTTGTCAAAGGGCGGGGTCTCGATTGGTCCAGCCGCCGGGAC
AACACCTGCTCGACTCCTTCAATTCAAGTGACACCAGAGCTTCCAGGGATATTTGAGGCAC
CATCCCTGCCATTGCCGGGCGCTCGCGGCGCTGCTAACGGCCTGGTCACATGCTCTCCGG
AGAGCTACGGGAGGGCGCTGGGTAACCTCTATCCGAGCCGCGGCGCAGGAGGAGGGAA
>EP73589 (+) Hs RTCD1; range -499 to 100.

AAAGATAACACACTCCGCATACAAAACACGCACACCGCAAGGAACCAAAGGCCAAGAGT
ATCAATGTACCAGGGCGCACACACTTCGAGAGACAGGTTGGTGCATCGCAGGATCCCAA
TCTTTCTTGTCATCTTCAGCTCTAAAAGTCGGCACCTCGGGGTATGCCAGGATCCTCGAGA
AAACAGATATAAACACATATTTACCCACAAAACAGAGATAAAGCACAAGCCTGCGGGATA
ACTGGAGGAGTTATCTTACAGTTGAGACTTTCTGCAACCTGCAGATTTTGCCGTGCCAG
GGCACAAGTTTTTCAGGGCTCCTGGGCACCCCGCGACCGTCATCTCACTTCCCCGGCAG
CTTCTCGCCCCGACCGCAGTGTTCCACGCGCGGCTCCTTTAAGCCGAGCTACGCGCATG
CGCACTGACTGCGGAACTGGGCGAACCCGGGGGTTCTGTTCTGCTGACTCCAGTGTCCTCG
AGAGGCGCCGCTTCTTCCGCTTTCTCGTCAGGCTCCTGCGCCCCAGGCATGAACCAAGGT
TTCTGAACTACTGGGCGGGAGCCAACGTCTCTTTCTTCCGCTCTGGCGGAGGCTTG
>EP73590 (+) Hs EIF357; range -499 to 100.

CTAGGCAAGTCACTTGGCACTTCTGAGCCTCAGTTTCCACAATAAAGGCGGAGGAGT
AACAAATAAGGACCGCCTAAGACACCGACGACCTCCCCTGCGCTGAGTTTACATTAAGC
AGGCAGGTAGAACAGGCGGGGAGTCGCGGGTGACGGTGGGATACATGGGGGTGAGGCGC
GCCGCGAAGCATTGTGGGACACAGAAGGGCGCCAGTCGCTCCCCGCTCGAGTTTGATT
GCGCGGCCCGCAAGTTTCACTGATGAACGCCCTCTTGGGCGTCCCCGATACCGCCTGA
CGTAGTGCCATCACACCTCTCGCTCTCGGCGCTCGGAGGCTAATGAGGACGCTGGC
GAAACGCAGTAACGGATTTCCGGGTGGACCTTCGCTTTACGGCTCGTGAGTTCTTCCGCC
CAACCCAGAGGAAGCGGGAGAGCAGTTTACGACAGCGCCGGTCTGTGTTTACGGCGGGCGC
CGCTGCGCGCGCATGTTTCTCTTTTCTGTTTCTCAAGAGTGCTGCTGCTAACGCGGT
CCCCGGCACGCACCATCTGTTGCCATCCCCGGCCGCGGAGGCCATTGCAGGTGAGCGGCG
>EP73591 (+) Hs EIF352; range -499 to 100.

GCTGGGCCAGGTGCGGCTCATGAACCCGCTGCAGGCGGGCGGAGGCCCGCTTCAGCAGCG
GCTGCGTGCCACCCACAGAGCGGCCACCAAGCAGCAGCAACACCTGCCCTGAATGCA
GACGAGTGAGTACCCCTGACCCCAACCGGCCCGCCACCCCGCCTCTCTGGCC
TTCTAGCCCCAGCTAGCCGCCCTTCCCTCCTTCGCTCTCTTCGCTCGGCTGCGAC
TGCGCGCTAAGGCAGGCCAGGAGCTAGGGAGATGAATCCAGGAGTCCGGCCTCTGGG
GTTGTAGCAGGGGTCTGGGGTTAGAGGGTGATGTGGAGCAGGAAATGAATTTCAGGCGAG
GGTCGGGAAATCCATGGAAGGGCGGGGCCGCTACCTACCCAGAGACGCCGCTATGGCAA
CGCCGCTGTCTTCTACTTCCGGGAACGAAGGGGCGGAGACCCATAATCCGGAAGTGACCT
CGAAACCTTTTCCGGTCTTACTACGTTGCGGCCTTCTCGCTCACAGCCGGGATGGTG
AGTTTCAGAGTTAGGGGTATTGAGTGGGGGTCTGGGCTGAGGCTGGGGCCCAATTCCG
>EP73592 (+) Hs EIF351; range -499 to 100.

CAGTGACCAGAGGGACAGCGCACCTCCGGTCAAGCGGGGTAGGCGTTGGCAGGGGAGG
GGCGACGAAGACTGGCGAGGTTAGGGCGCCAGCCAAAGAACCCTCTGCTAATTCTTG
CACTTACGTTTCTACCCGGGGCCAGAGTCGGGCGGCGGTCTTCCAGCACCAAGCTC
CAGTACTGGTCTGCGTTGTAGGGAGCTGGAAGCCGACCCAGCACTCCTCAGCCCCCTGT
GCCCTCCTCTGCTCTTCCGCCCTCCTCCGCCCCCTCCGCCCCCTCCGCCCTC
TCCCTCAGCCCCGAGCGCCACCGACCGCTTCCCGGCCACTTCTTACCCGCGCGCGTC
GCCGCGCGCGCTGAGGGGGCGTGGCTCGGCTCGGCGCACAGTCAGCCACGGTCCCATC
CTGCTCCGCGCCGGTCAACGAGAGCAAACCAAGTACTACCTCCGCCGTGCTAACTCCT
CGTAGCTCTCCTCTCACACACGCTCACACCCGGCTCGAGATGGCGGCGGCGGCGCGG
CGGCGGGGACTCGGACTCCTGGGGTGAGGAGAAGTTGCTGGGGCAGGGCCCGGGCGGCG
>EP73593 (+) Hs SNAP23; range -499 to 100.

GGAACCTCTACTTATCCTTCACTCAAGTCACTTCTCCGGGAACCTTCCAGACACC
CCTAAGAATAAAACGCTTTGTTTATTATCAGCCAAAGGCGCCTCAAATTTTCTATGTGCT
ATGCACTGTATTCTATCCACTATAATTTGTTTACATATCTATATCTTAGTCTAGACATAT
TGAAAGGCGATGAAGAGCAGGGAAAGCACTGTATTGCTTTCTTTTCTTACGCTTCATC
CAGCACAGTGCCTGGCATAACGTTTGGCCTCAGTAAATGTTTATTGCATGAACACCTCCC
AGCTTCGGGCGAGGACTGAAATCTATCCGGTTAACTAGTGAATCCAGACTCTCCGTCTG
CGTGGCAGGGACATTTAAACCCCGACACCGTGATTGGCTCCAGCTGCAGGGGTGTGTCT
GTGTCCGCGGCGAACGGGAAGTGAGCAGGCGCGGGGCTCGGCGCGCGCAGGCGCGACTA
GGGTGCAGCGCCAGGTCCGGTGTGGGGTGTCCGAGTTGCCGCCGAGAGGAGTGGCCTC
GCCCGCTTGGTGAGTCTCCAGGAGTGGGACGGAGGGAGCTGGCCGGGATGAAGTCTGAGA
>EP73594 (+) Hs NRP1; range -499 to 100.

TCTGGGAAAGACAGACAGACGGACGGGGAGAGCACTCGGAGGGAAAGTTGTTCTCCAG
TCTCCTGTACAGCAATTACAGGCGAGCCCAAGCGGGGAGAGGGGCGGGAGGAAGCGAGGG
AAGGGCTCCGGAGTGGGGGGAGGCCGCAGGAGGGGAGGCGGGGTGCAAGTTGGTGAACT
CCTCTGTCTCCGCTCATCTTTTCAATTGCTCGTTCCCTCCTTCCCGCAGACACCCGGAC

CTCCCCTGGGCGCCAGCTCCGCGGCTCCAACGGGTCCAGAAACAAGCCGATTTTTTTTTT
TTTCTTCTGGAATTGGCTTTGGTGTGTGTGGCCTACCTCCCTCCCTCCCCCTCCACC
CACAGCCCCCCCCCGCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACATGGCCCGGGCAG
TGGCTCCTGGAAGAGGAACAAGTGTGGGAAAAGGAGAGGAAGCCGGAGCTAAATGACAG
GATGCAGGCGACTTGAGACACAAAAGAGAAGCGTTCCTCTCGGATCCAGGCATTGCCTC
GCTGCTTTCTTTTCTCCAAGACGGGCTGAGGATTGTACAGCTCTAGGCGGAGTTGGGGCT
>EP73595 (+) Hs EIF2S2; range -499 to 100.

CCTCCCAAGCAGAAAACCAGCGTCAAATTTCTTACGAAGTAAAAACCTTAGGGAGGTG
GGCGCCTCTAGTCCAACTCAGAATTTCTCAAACACCATGACGCCCGGGGGTTCATGTGGG
AAACTAAAGCTCCAGCGGGTTCATATGACTCAGTGTCTAACCCACTACCCTAACCCAGGA
GGAAGGGACCCCAATTCACCTCTACAAGCAGCGCAAAAGAATGCTCCAAAAGGCTGAGGCA
ATATCAACAACCGAATGTTCTTCCGGCTGCAGCTCGCTCAGACGCCGCGCACAGGTCGCT
GGGCGGCTACAGCGCAAGCGCAACCTCTTATAAATGGACTACAAGTCCCGGCATGCCTG
GCGACGCGGCGTCGCTGGTAACTCGCGCCACACGAAGCGCGCTAGGTTGGCTCTTCTGC
GCGCCTGCGCCTTGGCGAGCTCTGCGCAGGCGCATTTCCAACGCTTGGAGGAGAGGGCGG
GGTGTCTGTTTCTTTCTGCTGATGCAAGAGCCTAGTGCGGTGGTGGGAGAGGTATCGGCAG
GGGCGAGCTGCCGCGGGGCTGGGGTGACCCGTCTGACTTCCGTCCGTGCCGAGCC
>EP73596 (+) Hs SLC7A7; range -499 to 100.

CACATGGTGTAGAGACTGCTTTACACTTCTGTAATCTCAGCATGGGAACAAGCCTTTG
TGTCACACTGTGCAACCTTCTCCCTTTCTTAAATGCTTGGGGTGAGAGAGAAGAGAGGC
TAGGGTGGGGCATGGAGGACACAGAGAGAGAGAGTGTGTATTCTTCCCGCTACTG
TCCTGTCTCAGCTAATTGCTCTGGGACAGCTTCCCCAGGGCTACAGATACTGCACTCA
GCTGACTGTCTTTCTTCTGGGCCCTGGTCCCAGAGCAGAGCTGACAAAGGAGATTCTT
GAGAGAGCACCTTCTTATCACAGAAAGTGTGAGCCAAGAGCTCTAGCTGCCCCTTTTG
CAGATGTGAAGGGCCAGTGAACCTTGGACCCAGATGGTTGCTTAATACTCCTTTCCCCCT
CCCTCACTCCTTCTTTGCGGGCTGCCTCACCTCCTCCACCTTCTTGCTTAAATCCATA
GGCATTGTCTGGCCTTCCCTTTTACTGCTGGCTGGGAAGGAGGAGCATCAGACCACAGA
TCCTGGAAGGCACTTCTCTCCCTGACTGCTGCTCACACTGCCGTGAGAACCTGCTTATAT
>EP73597 (+) Hs DEK; range -499 to 100.

GCATGATTTCTGGAGCATTGATGAGACCGCTGATTAATTCTCTCCGCTCAGAGTAACA
CTGTGCATAGCGACTTCGGAGATCTCTAACTTCTTTACGCGCCCCGCGCGCCCTCCG
CGCCCCGGGACTGCTCATCATCTTTTCCAGGAAGCGACCGTGGAACAATAAACACGCAG
GCCCCCTAGCGTCTTCCGTTCCGCGCTGCCAGGCCGCTCGCTCCCGCTCCCGCCCCG
CCGCGGGGACACAGCCCGCCGCGCATCCGCGGCCGAGCGCCGACCACTCCAGGCGCA
GCCGGGGAGAGCCCCGCGCGCATCCCTCCGCCCCGCGCGGAGGCGACCCCTCGCGGTC
CCGCCCCCGGAGCTTCCGCGGAGGCAACCGGCCGCCCCGCTCCCCGCCCCGCGCCC
GCCAACTCCCAGCTCGCGGCCCTGATTGGTCGCGCATTCCCGCTCTCCTTCCGAACCG
CCATTTTGAAAATCTTGTTGATTCTGGGGAGCCGAGCGCGCGGCGGAGCGTCACGCCAG
ACAGCGGCCCGCGCCTTCTCTCGGCGTCGGCCGCCGCGCTCCAGAACCTCCTCG
>EP73598 (+) Hs UNG; range -499 to 100.

GGCCAGAAGACGCTCTACTCCTTTTCTCCCCAGCCCCGCCAGGAAGCGACACGCCCCC
AGCCCCGAGCCGGCGTCCAGGGGACCGCGTGGCTGGGGTGCCTGAGGAAAGCGGAGAT
GCGGCGGTGAGGCGCGGCTTGGGCGGGGCTAGGGGGTGAAGGGGGAGGAAGGCGGTGGG
CCCCGCTGACGGAGGGCGTGCAGGATCGCGCTCTGACTCGGTAAACCCGGGCTCCGCT
TTCCAAATAGCTCCACGTGTTCAAATAGCCGCGCTGTCCCCCATGGGCCGCCATGCT
AAAGGGCCAGCAATGGGAACGCGTCTCGGGGCCATGGCGCAATCCGCGCGCCGACAGG
CCCTCCTGGCTCGGTGCGCTGTCCAATCAGAGGGGAGAGGGGGCGGACCCAGAGGGAGG
TTTTTTGCCGCAAAAAGACCAGTGGGGACGCGGTGGGGCGGTCTGGCGGGGCGGGG
ACCTCTGTGACGGGTTCCAGTCACGCGACGCTCCTCGGGAAGCCATAGGGCGCCTCCC
AGCCCGTCTCCCGCTCCAGTTAGAACCTAATTCCTTCCCGACCGGGCCAGCCC
>EP73599 (+) Hs UQCRC1; range -499 to 100.

AGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCATTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCGAGACCC
TGTCTCAGAAAATAAAAAATAAATAAGAGAAAAAAATACTGACTTTTACGACCAACTTG
TGGTCCCAGGTAAGTTTCCACGCTGGTACTTTAGCCCTGGGCTCGAACCTGCGGACACGC
TGTGGCTGCAACTCCCCGCCCCGACACCTCAGTACGCGAGCGGGCTGGTGAGAAACATA
ATGCACTCTGACTTCCACGCGTGAATGGGGAGATGGACTGCACGGCGGGCGGACCTGCT
CGGGCTGATGGACGGCAGGTGGACTGATGTGCGCAGGGACTGGCGGCAGCGCGGTGAGAG
CCAGTCAGCCAAAGCCAGGCCAGCACAATAGACTGTCCCGGTTCCCGCCAGGAGGCGGCC
GAGCACCAACTGTACGGTACTGCGCCTGCGCCGCGACCGCCAACGCGCCAGTCTACGCT
TGCGCGGGCGCAACAGGGCCGACTGCAGCTGGAAGATGGCGGCGTCCGTGGTCTGTGGGC
CGCTACCGCCGGGGCACAAGTGTATTGCGCGCCCGCGCTCGGTGAGGTGGTGGCGAGA
>EP73600 (+) Hs VASP; range -499 to 100.

CGGGTGGGGTCTCGCCCCCTTAGTAACCTCTCCGAAATTGACAGAAGAGAAACGCTGGG
GAGGGGCGGTGTTCCGAAGATGGGATTTAGGGAGAAAACTGAGACCACTTGCTTAACT
TGAGGGTCTCTCGACCCCCAAAATTGAGCGGAGTACGAGATGGAGAAGTCGATGGGGA

AAGAAATCGCGCCCTTCCGAGACCCTCCTCAGAATTCCCACAGTGGGAGCGAACTAGGA
AGCAAGGGAGGTCCCCTTCCCCTTACCAACTTGCCCCTCAGGTGGGGGTGATTCCCAGG
GTGCACCCCTGGGCTACAACATTGGGGAGAGGAGCGAGATCGCGGAAGCCGAGGGTGAG
AGTTGCCCTTTTAAGCGCCCTCCACCCCTCGCTGGAGGCGCACGCGCCCTTTAAGG
CGCGGGGCATTGTGGGTGCGGGGAGTGGAATTTTGAACGAAATGTAACGAAGAGAAGTA
CAGTAGTAAGAGTAACACTGTAGCCGCCACCGCAAGGGGTGCGCGCTGGGGAGCGGACG
CTGCATCCCCTTTCTGCTGCAGGAACCTCTCATCAGACCGCCTGAGGGAAGCGGCGCCCG
>EP73601 (+) Hs VDAC2; range -499 to 100.

GACGTGGGTAACTGCTCAGTGAATCCCCGACGGCACCCTATGCAGGGCTTTGTTTCGGGG
GGGAACCCCGACCGAGCGCTAAGGGGAGTAGGAGAGATCTACGTGACCCTGGTGCGCAGC
CGCGCCCTATCGCCCCGGCCACGCGCCGACGCCCCGCCCCGTCCGTGACGCGTTCGCGCG
GGGCTCCGCCCCATCCCCCTCCCAGGCGGTCCCCAGCGCGCTGCCTCCGCCGTTCCCCG
CCCCCTCGCCTCTGAGGCTGCCCCGATAGCTGCCTGATCCAAGGCCACGAGCTTCTGCC
TTCCGGATCCCCACCGACGGACGAGGACAGCCACCTGCAGGACCGGGGCGCTGTGGTC
CACGTGGCCGCTCTGGAGCAGGTTGGAGTTGGCAGCGGGCTGCGCTGCAGGGACAGGCGC
GGCGGACAGCCCCGGGGGAGCGGCGGGGTCTGTCTGGGAGAGGACAGGTTGCGGCGG
GCGGAACGGTGTCTCTTCACTTCGCCCTCCAGCTGCTGGAGCTGCAGCCCGACCGCGAG
CGTGCCAAGCGGCTTACGACAGCTAGCGGAGCGGTGGCGGCGGCCCCCTCAGGACACCAC
>EP73602 (+) Hs YWHAB; range -499 to 100.

TTCTGTTCTTCCCTGGCTCCAGCATTACCAAAGCACACAGTAAGAGGACTGACATCGGCC
TCCGACCCAGTGAGGATTACTTTCGGGGTGGAGGGGGAAGTCTAAACCTCGAATCTCCG
GGACTGGCCCTGGCGGTTTCCAGTCCCAGCAGAAAGGGCAATCCCCATCCAGACCACAC
TCCTAGTCTCTTATTCCCACACAGCCCGTATCTTGACCAACCCAGCTCCGCCCTCTC
TCCTCCACCTCTTTTCCCCTCCCCCGCCCATTTCTTCTTCTCCGCCACCTCCTC
CTGGGTCCCTCCCCGGCCATCCGCCCTGCCCGGCCCTGCAACCTGCCTTTTCGCTCT
TCTTCTCTCTCCCTTCCGTCTGCGCCCCCTCCCGTGGGGCGGTGGCAACCCCGTGCCTCGC
TTGCCCAATGAGAACACGGTTTGGGGCGGGGCGCGGCCAGGACCGAGCGGAAGTGGCGA
TCGGAGCGGAAGTGAGCTACCGCCACCGCCGCGCGCGATTCCGGAGCCGGGGTAGTCGC
CGCCGCCCGCGCGCTGCAGCCACTGCAGGCACCGCTGCCGCCGCTGAGTAGTGGGCTT
>EP73603 (+) Hs P4HA2; range -499 to 100.

CAGCCTCCCGTAACAGCCTCCTTGTGGTGGTGCTGGGAAGAAGGGGCCGTGTACCCGGC
AGGGCCCCCAGGCAATGGGCATGAGCGCAGGCAGGGAAATCCGTACGCTCCAGGGACG
CTCTCCCTACAGCCCCGGCGAGGGGATCGGGTCTGGCGACCTCTCCAGACGCCAGGGG
CTGGGCAAGGAGGGCGGGCCAAAGGCCCGCAGGTGGGGGCGCCAAAGCCAGGCGGGCGCGA
GTACGTGCGGTGGGCTGCGGGCGGCATGAAGGGCGCGGGCGGCCAGCTCCGGCTCCGGCT
CCGGCTCCGGCTCCCGCGAGGCCGGGTAGCCTGGGCGTTCAGGGGTGCGAGAGGACGG
CGAACCCCGCGGAGGCCACCGGAGCTGGGGACAGGACGCGAGGCGGTGTGGAGCGTG
AGGTGGGGACGTGGCGGGCTCAAGTGGGCGGAGCCCCGGCAGCGGCCCGAGGCGGAGT
CGCCAAGGGAGGAGGCGCCGAGCTGACCGGGCGACGCCGCGGGAGGTTCTGGAACGCCG
GGAGCTGCGAGTGTCCAGGTGAGCGCCCCGCCGCTCAGCCGCCAGATCAACCTTAGCGC
>EP73604 (+) Hs LIPF; range -499 to 100.

TTTGTATGATAGCTAGACCATTATCTGTAGGATTTGAGACCCTGGTCAAAGACCATAATA
AAATATTAATCTTTGCTGAACACATTCACTTATCTAACCATCTAGTCAAATAGCTTATG
CGCTGCATTTTTAAAGAATAACAGGTGGCCTTTTGTCAATTTATGCCTCTCTATCTGAGC
CAAATATATAATCATTTGCATTATACCTTTGGCTCAAAAACGTTTATATGTTTAGGCTA
TCAAGGATTATTTTTAATGGTTTCTAAATCATTTTAACTCTCAGAACTACTTTGGCCAAT
ATTTGTCTTTGTTAAAAGTTAAAGGTGAGCACTCAGTATTATGTGAAAATGAATGCAATA
TTTAATTTTTAGTTTTGTCTGTTAACATTAGATGATGCCAGATAGTAAGTCTTTTTGG
TAATGTAACAGTGGATGAGGAATCTGACCATTGTTGAAGGTTTTGTATATAAGAAGTCA
ATACAACATTGACCAAAATACTAACCAGCCAGAGAAACAGAATCCTAACTATTTCTGAGG
AACTGTAAGTAGAACTTCTGCTGAACAAAATTGTTATTTGAATTATTAGATTTTTCTT
>EP73605 (+) Hs ASNA1; range -499 to 100.

ATAACAGAGGGGGCGGACCTGAGGTGAGGTTGGGACCTACCGTGAAGAATAGAGGGAAAA
TGATGGACATAAAGTTGAGCCTATGGAGTCAGGCCAAGGAGGACCGGGAATCTAACTTCA
CCGAAAGGGCATGGACTGGGTGTTTGGCTGGTTGCTAAGGTGAGGTTGGCGCTACCGGAA
CATAAGAGTGATTGGTGTAAGTAAGAAAAGACATAGCCAATGAAAGGAGAGCTGCAAGAC
CTAGGGCCCCAATCAGTGAAAGGGAGTAGCCTAGACCGTACCGATGTGTTCATTAGGTAGG
GGGAACCCCTTGAAAATTATAGACCAGAGGTTGACAAAGTGAACCCCTGGAAGCAAAGAAT
AGTGAAAATATAATTTATATTCTCTAAAAGGCAAGTAATGAGGAAATTAACCTCATGCT
CCTAGCTTCGCTAGGAATGTGATAGAGAATTTCCCCTGTAGGTTCTTCGTATGGTGCGCT
CCGCTGGATCACGTGAGCCAGTTCCAAAATGGCGGCAGGGGTGGCCGGGTGGGGGGTTGA
GGCAGAGGAGTTCGAAGATGCTCCTGATGTGGAGCCGCTGGAGCCTACACTTAGCAACAT
>EP73606 (+) Hs AKR1B1; range -499 to 100.

GTGCTTTGCAAAAGGATTGCAAGCCATTTTCTGGCATGCACCTTTGTCTAAGAACAAAG
TGCGGTAACTATATGTGTAGTCAGTATGATTCACATAGATTAAGGACAAGGTATTCGTC

AGATTCCCAAAGAGCATCAAACCTGGGGTTGGACAACAAAGGCATTCTTCTGGGCTCTTAA
TGAACCAAAACTTATTTCTAGTCTATGTATTTATGGGATGCCTGTTATTTTCGCTAAAG
CATTTCGCTTTCCACCAGATACAGCAGCTGAGGAACCTCTTTCTGCCACGCGGGGCGCGG
GCGAGCGTTGGGGGCGGAAAGAATCCGCTGCCACTAGGACCAGGCGGAAGAAGCATCCCC
GCCGACCCTTGGGGAAGGCCGCCGCGGCACCCCAAGCGCAACCAATCAGAAGGCTCCTTC
GCGCAGCGGCGCGCAACCGCAGGCGCCCTTTCTGCCGACCTCACGGGCTATTTAAAGGT
ACGCGCCGCGGCAAGGCCGACCGTACTGGGCGGGGTCTGGGGAGCGCAGCAGCCATG
GCAAGCCGTCTCCTGCTCAACAACGGCGCCAAGATGCCATCCTGGGGTTGGGTACCTGG
>EP73607 (+) Hs APEX1; range -499 to 100.

TGTGGAGGTCTCACTAGTCCGCGCTGGGCGCAGCTTTCCGGAGCGCAGAGGAAGCTGG
CCAGCCTGCAGATAGCACTGGGAAAGACACCGCGGAACCTCCCGCAGCGGAGACCCGCCA
AGGCCCTCCAGGGACCTGTCTTCTAACTGCCAGGGACGCCGAGCCAACCTCTGTGCCTT
ACATTCGTATCCGTTTTCTATCTCTTTCCCGTGGTCCAGCCCAGCCTTCTCCACTGTTT
TTTTCCCTCTTGACATAGTTAGAATCTTAAGTCAGTGTACACAATGTGCTGTGCATCT
GGCACAACGATAAAACAGCCCAGGGAGGGTTGGGGACCTAAGTGTCTAGAGAATTAGAG
GAGGGAGGCGAGGCTAAGCGTCTCCGTACGTGGTGTACAGACAGACCAATCACGCGCATT
CTTCGGCCACGACAAGCGCCTCTGATCACGTGACCAGGTCCGCTACCCACGTGGGGGC
TCAGCGTGCACCTTCTTTGTGCTCGGGTTAGGAGGAGCTAGGCTGCCATCGGGCCGGTG
CAGATACGGGGTTGCTCTTTTGTCTATAAGAGGGGCTTCGCTGGCAGTCTGAACGGCAAG
>EP73608 (+) Hs AHCY; range -499 to 100.

CCGGCTAATTTTTAATTTTTTTTTGTAGAGTTCAGGTCTCACTGTGTTGCCAGGATGGT
CTTGAACCTCTGGGCTCAAGCGATCCTCCCGCCTTGGCCTCCCAAAGTCTGGGATTACA
GGTGTGAGCCACCGCGCTGGCCTGCAACTTTACTTATAATAATCTGTGTGGCAGATGTC
ATTTGGCCCATTTACAGATGAGGAAATTGAGGCACAGGGAAGTGAACGGCGGAATTTT
AGTTCCGCTGGGTTTTGACACTGAATCAACTGGCTGAACCAGCGAGAGGACGGCCCGCT
GGCTCTCAGGCCTCTCCCGCGCTCCCTTCCGGACCGGTGAGTGAGACTCCTGGGGCCAC
GCCTTGTGAATTTCTGAGGCTTCTTTTCAGGGATCGAAATCCCCTCCGGCTCCGCCCTGC
GCGTTGGGCCCCGCCCCAGCGGGTCATGAATATGCAAGTGCAGGAAGATATTTAAAGGC
GTCGGCGCCACGCGCATATCCCTGCTCGGCGCTGCCGCCAGTTCTCTTCCAGACTG
AGGCCCAGCCCCCTTCGCCGTTTCCATCACGAGTGCCGCCAGCATGTCTGACAACTGC
>EP73609 (+) Hs EIF4E; range -499 to 100.

GGTGGGAGATCAAAAGAAAACATAAACAACACAGGCAACTTGTCTGGGACCTCAACT
AAGCAAATGAAGCCTTATTGTGTGCTGAGCCTGCAAGTTCCCAACCTTCCGGGGAAGAT
GGGAGGACAGGGCGCAAAAGGGCAGTAGGCTTGCCTGGCAGTAAGTGTGACCGCAGCT
ATCCAGGCGGAAGAGCAGAGGACTGAAACCACCCTCCAGCAAGCGAGTGTCCGCCGCGTT
GAGAACC GCGCACCTACCCATCGGCCACGTGACCAGTCTTTTTTAAAAAAATTTCTTT
ACCTTAAAAAAGAGTGGGGGAGAGACTCCACTTCCAGAAAGCCTCTC
GTTACTCACGACGCGCAGTCTTGCGCAGGTGCCGCCAGGGCCAAACGGACATATCCGTC
ACGTGGCCAGAAGCTGGCCAATCCGGTTTGAATCTCATTTTTTCTCTTACCCCCCTT
CTGGAGCGGTTGTGCGATCAGATCGATCTAAGATGGCGACTGTGCAACCGGTGAGTATTG
CCTTTGGCCCCACCCCCACGGGTCCCCGCGCTCCGTCTTCCTTCTGACTGGGGGACTCC
>EP73610 (+) Hs M6PR; range -499 to 100.

CAGTGGAGTCGAGACTCGAAGCTTCCACGCGGCGGAACAGCGTCCCTCTCAGGCGGCGAA
CGGGCTAGGGAAGCGCCCGGAGGAGACCTAGCGTGAGAACTACAACCTCCCGCGGAGCCCG
AGGGCGAGCTGCCTGCGTAACTTCCGCTTCCGCCACCTGCCCTCTCACCTCTTCACTC
GAACCTTACCCGGGAGCGGTGAGGCGCGTGACCCGCGTGACCGGGGTGCGCGAGCCGAG
AGGCCCTGGAAGCGGGACTCTGGGACCCATTGAAAGAAAGGCAACCAGAAAAGGCGAAA
CGACAACCTCGATAGTGATTGGAGCTGATGGAACGAGGGCGGAGCTAAAGTCCAGAATA
CTGGCCAATCAGAGTTTAAGATTATCAGGGAGCCCGGAAAGGGGAAAGGGGCGAAATGGT
TCTATGGTCACATGCGCGGGGTCTGGTGGGAGGAGCGGTTGCCAGCGGCCCTCTTGCGG
CTTCTGTTTCCGGTTCCAGAGTGGGGCACAGCGAGGCGCTAGGGGGAACGCTGGCCTC
TGAAACTAGCTCTGGGACCGGGTCTGCGGCCGCGCCCTAGCTGGCCCCGTCTCCCATCC
>EP73611 (+) Hs MAD2L1; range -499 to 100.

TTTCTCGGGAAGGCTGCGTTCCACACAGAAGGCGAACCTGTAAAGCTGTGGCTTGGC
TGCCGCGCACGAGTCGCTTTACGAATCCCAAAGCATCTAGCGGAAGTTTAGACCGTTC
ACTAGGGGTACATGGGCACTTCGCGAGCAGCTGGCGAACAGTTCCTTTAGTTTGAAA
GTATCTTTGAAACTCGGAAATTTGTGCTCCTTGGTCTTTTCAAGTTCATAAGCCTAGAGAGTG
GCTACTGAAATTGGAATCGTCATCTTCTTCCCTCGGCCCAACTAGTAGACCACGACCAG
AAGACACATCCTAACCTACACCTACCGTAGTGTACACCCGGCACAGCGCGACAGGTCC
ACCAACTGCGCTGCGCGAACCGGCCGCTCCCGCGACATCACAGGAAGGCTGAGAGAAAAG
GGCAGGTCCCGCTGCGTGGGGCTGGGCTTAAAGGCTCGTCGCGCCTGCGCAAAGGACCT
GACGACGTGTGCGTCTTACTTTTGAACGCTTGGCGGGGAAGTGTGTTGGAGCCGCT
GTGGTTGCTGTCCGCGAGTGGAAGCGCGTGTCTTTGTTGTGCTCCCTGGCCATGGCGCT
>EP73612 (+) Hs MDM4; range -499 to 100.

TGACCTCAGGTGATCCGCCTGCCTTAGGCCTCCCAAAGTGTGGGATTACAGGCGTGAGC

CACAGCGGCTGGTGCTTTCAACTATTTATTTGACATGGCTTCAAGCTTCCTTGCCACCCT
AGTGCCGCCATCGCTCCGTTTCCCTTCCCTACCACCCTTGGGGAGTAAGGGTGAGGACTG
GGGAATGGCAGAGGAAGCGTAGTTTTTCCGAAGAGCTGAAGGCAGCCTGTGATTATGACC
TTAGCTCTTCTCTTCTGTCTTCTGATCTCCTAATACACGTCTGTAATATCACAAGA
CCCTGCAAGTCCCTCACTTATTATCTCTTCAAATCTGACGACTTTCAACCGTTGCGGCCC
CACGACTCTCTCCCGGACTAGGATCTACTCTATGGTAGTGAGCTCAGCCTTTCTAGCTC
TCTAGTCTCCCATTTGCTCCATCTATGGTTTCCGGAGGCCTCACCGGAAGCCCTCGTGTG
AGGCCGTGTGGGAGGCCGGAAGTTGCGGCTTCATTACTCGCCATTTCAAATGCTGCCGA
GGCCCTAGGATCTGTGACTGCCACCCTCCCCCACCCTGGGCTCGGCGGGGAGCGACTC
>EP73613 (+) Hs MGAT1; range -499 to 100.

TGGCACAGGTGTTTCCCCCGGCCCCCGTGGGACCCCTGGTTTCTGTCTGTCCCTGC
CCCACGCGACCTGGGGCTCCACCCGGGCTCCTCAGCTCCCCTGGGTTGGGGTGGGGG
GACTGGCTCCAGCCCTTGGCCTAGGGTTTGGTGAACGCCTTTCTGGACTGCGGGCCCA
CTTCAGGCGCGGCTCCAGGCTGGGCAGCTGCGCTGGAGGGCCGAGGGCAGGGGTGGGGT
GGGCGTCCACCTCAGGGTTGCGCCAGGGAGCCGGAAGCCGACTCCCGAAGTTGGGGT
CTGGGAAAACCTGGGTCTGGGTTGACTGAGAAGCGGCGGGGAAAGGAGGCGGGCCAGGA
GGAGGGGGCTGGCGGACCCGCGGCGGGGCGGGGCGCGCGGGGCTGTGCTCAGGCC
CCTCAGTCCGCGCCCGCCCCCGCTGCGGGGAAGGGCCACGTTGCCCGCCGCGCGG
TCCGGCCCCGCGCGCGCAGAAAGGGCTGGCGAGTCGAAAGGCGAGGCGGCCGCGGCAG
CGCTTGGGACGCGCTGGGCACCGGGCTCGCTCCCTGCGCCCCGAGCAGGCCAAGTTG
>EP73614 (+) Hs MTIF2; range -499 to 100.

GTATCCAGATTCCCTCCCAGAGGAGCCATCAGTTCTCATGGGTGGCACTTTTTCTCCAGC
TGATTACACTTTTTTCTGTACCAAGTTAATTTTTCCAACCTCTAATTGAATAAAGGCAGT
TTTCTTAAAAAAAAAAAAAGAGAAAGAAAAACGAAAGGAAGGAAGAGAAAGGAAGGA
AGAAATGAAGAAAGGAAGGAAGGAAGAAAGAAAGGAGAGGGACAGAAAGAAAAAAGGAAGA
GAGAAAGAAAGGAAGGAAGTAAGAAATGGAAGGGACCTGCAGAAACGATTACCACGC
GCGGCTGACCTTGGGAGGAGCCACAGGTTGAACAGCGCCTCCAGGCTGGACGCCCCG
GCGGACACCGCAGACAGTCCACCCCCAGCGGCGACAGCAACTCTCTGAATTCGGAAAG
AACCTTTTCCAGCGGGACCGGAAGCCCGGCGGGGACCGTAGCGGGGACGGACTGACCTAC
CGACCATTTCCGGGTCCAGAAGGTGATCTCCGCGCGTGTCTAGAATCCAGGGGCCCGG
GGCTGTAGGTAGGAGTTAAGTGGGTAGGATCCCTTAACCAGGGTTGTCCGGTGCAGGTG
>EP73615 (+) Hs PGD; range -499 to 100.

TCAGCTTCCCCGGCCCCATTCCGAGTGCACAGGACTGAACGAGCACGCCGGTCCCT
GCTCCGGAGCGGAGGACACGACGCGGACCCGACGGTGACCCGAGTGACCTGAGGAAGG
AGCGACGGGCGCTCGCGCCAAAGGCGTCCGAGTGCCTGGTAAACTGTAAAGCGCGGTCT
GCGTGAGTTGCTATGGCTACAGCTGCGCCAGGCGGACGGCCTGCAGGACCGAGGTGCAGC
TGGGACGAGCGGAAAGCTCTGCGCGTGGGCGGGGAGCCCGAGCCTCGCCGGGGCAATGT
CATCTAGGTGCTCGGCGCTCCACTGATCCGCCCCCGGGGGTGGGCGGGCACGTTTGCCT
CGGATGGTCTAACAGGCGTGGGGAGAGCCAATGGTGTGGCTTCATGGCTCCACCCCTT
CCATTCGATTGGCCGGCGCCAAAAGCCGGGCGTGAGCGGCCGAGTTTCTGGAGGGAGC
CGCTGCGGGTCTTTCCCTCACTCGTCTCCGCGCGTCCGCGCTCTTCGGTTCTGCTCTGT
CCGCCGCCATGGCCAGTGAGTGACTCGCCAGGGGACGCCGGCTCGGCTCAGCGGGCG
>EP73616 (+) Hs PHB; range -499 to 100.

ACGTCTCACAACTCTGAGGACGTTTGCAGACAGGGCTTTGGAAGGAAGACGGCCCTTCGT
TTCCCCCAAAGGGTCTCAGCTGCCGGTGATTTACCACGACTTCTCCAGAGTTCCACC
TGTCCTCTTCATCAGCCATGAACTTGCCCCACTAATTTTTGCCACCAGCTGGACGCCCA
CCTCCTCTTCCCGAGCCCTAAGGCTCTCTTGGCGCAGTCTTAGCCTCTGTACAGGAT
AGGCAGTGCAATTTAGCCCCAGAAAACCTACAGCCCCAAAAGGCTTTGCGGCAACATCCT
CGCGTTGATACCAAAGAGAAAACGCTTTTCTCCGCGGGCCCGCGCTGCATAGCCTTTT
GGGAGTTGTAGTTTCATCTGCTAAGAGCCGAGAACCAGGGTGAGGTTCTAAGCCACCTT
CCCAGAACTCACAGCGCTCTTCCACACCAATAGGAAGCGTGATCTTGAAAGCGGGCGG
GGCAGAGGAGCTCATGCGCAGTATGTGTGGTTGGGAATTCATGTGGAGGTCAGAGTGGA
AGCAGGTGAGAAATGGAGGGGGCGGCAAAGGCTCGTTTCTGGGCATCTCTGCAGTCTCCT
>EP73617 (+) Hs RALB; range -499 to 100.

GCCACCTCGTAATTTTCTTCTGTTTCTGTATGATCAGGTCTGTCTTCGCTTTTGCTTTC
CATTACTTCGTCTAGCCCTGGCCTGAATCCACAACCTGGCGCCCCACCTTGTGCACCCG
CACCCGCCCTCAATACCGGCGGGCAGCTCTCCACTGCCGACGGGTACCAGCTGCGTGT
CCGAGGGGACAGAGAGAAACAGAGGGGGACGGGACAGGCGCGCTGGGCCCCCCCCCG
TGCTTGGGGCAGCTTCTATTGGTGAAACCTCCTCCCCGGCCGCCCGCTGCTTGAAAAAT
CAGCCTCGGATTGGCTGACAGCCCCCGACGGGCGTGGCTTCCGAGGAGAGGGCAAGAAC
GGAAGCGAGGGCGCGCTCTCGAGAGGAGGGTTGCTAGGCGACGCCGAGGCGCGCTCG
GGGGGTGGGAAAGCGAGCCCGGCAGCTCAATGACAAATCGGTGGAGGACGGCTGGGGTCC
GGCCCCGGGAGGGGGCGGGCGCGTTTAAGAGCTGCGGGCCGGGTGCGGACGGCGGAGGC
GGCGGGACTGGTCCCTGGTAAGGGCGCGGCGCCCGGGCCCCGGGCGGGTGGGGCGCG
>EP73618 (+) Hs RARRES2; range -499 to 100.

GAGGCAGGATCAGGTGTAGGGACCTCGAGGTCTCATTTGGTTTGAGAATGTCTGTATTTA
GGGGAAGAAATCCCAGGATGAGTGTCTCAGGGACGCTGGGGAATGGTCCCCGTAAAGGA
CCCAAGACAGGGCAGCCCTGCCTGGGTAGGAGTGGGGCACAGAAAGTCCTTGGGGGAGCA
GAGCAGCGGAGAAGAGGCCCGGGCCGGCCGAGGCTGCGGAATGCTCAGGCCCGAGCCAGA
GGGAGGTGGGACCGAGGGCTGCGCGCTGGGCGAGCCGCTGCAGCCGCGGCCAGGGTCA
GGGTGTCATGAGGGCTGGATCGAGGGGAAGGAGGGGGTGGGATGGGGAGGGAGGGCGCGGG
AGGGCATCCCCCCCAGAGGCCGGTCCACTGGGGAGGGGAGGAGCCAGAGTTGCTGGAG
GGGGTCCAGGAGGTGGGGGTGGGAGGAGTGGGGGCCGCCCGCGAGAAGAAGAGCGGGA
AGAGGCGGACAGCGAGGCCAAGATTTAGCTGCGGGACGGTCAGGGGAGACCTCCAGGCG
CAGGGAAGGACGTGAGGAGGGGAAGCGGGCTGGGGCGGCAGCCGGGCGAGGGGCGAGCTG
>EP73619 (+) Hs RBMX; range -499 to 100.

AGAAATTTCCCACTACTAAAAACACTTGTAAAGACAATTTTGAAAAATATATTATAT
TGCCAAAACCTTTTGTTCCTGTTTCTGCAAAATTTGGTATAGTAGGAGTATCTACCCCTC
ATCACATTTTGACAATTAGAAGAGTTAATGGAAAAGTAAAGTAAAGTTTGCACCGTGC
CCGGCCCACTAGGACGCTCAATAAATTCAGTTCTTTATTAAAGGAAGCCTGTGCACCAT
TTTAGCGTAAAGCAAAAAAGCGCTTTGTAAAGAACGGGTGGGGGTAGAGAAAACGGTT
AGAAAGGTCTGTGACCAACACCGAGGGCCCGGGAAGGGAGGAGAGAAGGGTGAAT
GACAGAGGAGCCAGCCAATGGGGAGACTGGGAACACTTCCCCCTCCCTTTGCGTTTCA
AATTCTAAGCTCCGTTTCCATCCGGTCTTCAGCTCGTTCCCGGGCAGTATAAAGTTT
GCTGTCTCCTTTGTTGCGCTCGTTGCGCAGTAGTGCTAGCGGCTTCGCGGTTGCGTCCT
CGCACCCGCGAGCCGCACTGGTGTGAGCTGCTAGGAAGCCCTATCGCCGAGCTCGTT
>EP73620 (+) Hs RCN1; range -499 to 100.

TACTAAATGGGGTTGAATTGGGTTTGAGAGCACATCTTAGAGCAGGGTCTAGGGCTGAGA
TTCGGGGTCTCAGTTGGAAGTTGAGGAAGGGCAACGTCTCCTTCTTACAGTTTTCCCG
AACTGTAGGAAGTCAGAGGGAATTTATCCTGCACATCTGTTGCTTGACAAAGAACTTCC
CAATCCTCCTCCGAGCCCTCAGTCCCTAGCCAGTTTCGCCGGGGCCGCCCTAGCAAC
AAGATCGCGGGGAGGGGCCGAGGCGAAACACGAGCCCGCGCCACCACCCAGCTGGCG
ACGTGGCTCCGCGGCCCGGCTTCCCCCGCAGCTCAGCGACCAATGGGCGCGGAGCGG
GGCCGCCCGCAGCTTCCAGCCCGAGGCCAGGCGCGCCCTCTGCTCCGGCTCGGGGCG
GGCACTGGCGGAGGGACTGGCCAGTCCCTCCTCCGCGCCGGCCCCAACCTGTGCTGC
CGCCGCGTCCGAGTCCCCATTCCCAGCTGCCGCTGTTGTCGCTCGCTCAGCGTCTCCC
TCTCGGCCCGCTCTCTCGGGACGATGGCGCGGGTGGCCGCGGCCGCCCTGGGGTT
>EP73621 (+) Hs SDHC; range -499 to 100.

TCGAGGCCCTCTACACACTCCCCAAGTGTACAAATTTATGTATCTGTCTGGTTAA
GCTTCGTATTAGAAAGGGAGGGAACCCAAAGTATCTTTTCTTTCGGGGTCTCAACCGGC
CAACCACCACGTTTTTAGGCCGACCTGGGAGGCAGGGGGAACGCAACAGACTGCGAAGTC
CTTAAGGAAGAATCTAAACAAGTCCGCCGTTTGTGTTTGGGAGTGCATACAAATGAA
TATGTACGCAGGTGGAACGTAGACTGCAGATTTTGGCCAGCGCGTTTCTGCCGAAATC
CTGGCAAATTCGGTAGAAGTCCGCTGCAGGAGGCGGAGGAGGAGACTAAAAAACAGAA
AACCAACCAGCAAACAGCTAGGCAGAGCTGAGCGGAGAAGCTCCAGAGCCTTTTAAAGAG
ACTCTCGTCACATGACACCCCAACCCGACCCCGAGCCGGCGCGCTCCGCCCTCGGGT
GGCGGGGCCGCTGGCGTCACTTCCGTCCAGACCGGAACCAAGATGGCTGCGCTGTTGC
TGAGGTGACTTCAGTGGGACTGGGAGTTGGTGCCTGCGGCCCTCCGGAGATCTGAATGG
>EP73622 (+) Hs SSR1; range -499 to 100.

TCGTCTCAAAAAATAATAATTTAAGAATTGTCACTTAACCATGGGAGAGGGTGTGGGC
AGACAGGGGACAAAGATTTTCCACTGTGTATTTTCATGGTTTTTCTTTGAACAATGTCC
TCTCTTCAACAAAATTTTTGCTTTTAAAGTGCCACATAAAGGCAGCTCATGTTCTTAC
ATCGCCGTTATCAAGAGGATCGTCATTCAAATAAAGTAACCACTGACAATGCTAATTAAT
TGGAAGTAAAGAACTGGCGGAAAGAACGGCTAACCGCAAGCTGCCGGTTCGCAACTGCG
GCGGAAGGCGGACTCTCGCGGGAGCCACAAAGAGGCAGCAGCCGGCCACGTGACTTCCCG
GTGGCCTGCTCTCCCCACCTCTCCGCGCTGAGCAGCCACGTGCGCGGCGGTCCCTGGTCC
AGGGAGGGGCGTGGCAAAGGCCCGTGCAGGTTACGTGTCCCGCCCTCGCTGCCCGGAGC
CCGGATGAAGAGTAACGCCATTACCGCCGAGCGCGGAGAGCCTTAGCCGACGGAACCT
GGACACTGGACCGGCAGCGCCATGAGACTCTCCCCGCTTGTGCTGCTTCTTACTC
>EP73623 (+) Hs TARS; range -499 to 100.

CCACTACAGACAGGGAGCCTGAGGCCTGGGTGGTGCCGACAAGTCGGCAGTCACGCCAGG
TCAGGAAGCGCCGAAGCCGCGGGAACCTGGACTCCATCCCGGGATTTGTCCTCGTGT
GAAGATGGTATCCAGGTGCGCGAAAACCTCCCGGAAGTTTAGACCAAGACCTACTTATTA
TCTACGGTGTCCGGGAAGGTCCATGATTGTTCCACATAAAGTCAGAAGGGAGGAAAGGCG
CACGCGCATTGGGGACTTGACTCTGGAAAGCGTCCAGACCAAGGTCAGCGGAGAGTAGGC
ATGTAGCTTCTGCAGTTGCTCCTCTCACCTCCGCGACCTGATTTCTAGAAGGGCTCT
GTCACCCGAAAAGATTTTCCACTGGCTTAGAGGAGGGAGGGCCCGCTTCCCCGTTATC
CATTGGCTGCTGTTCCGCCGCAAGTTGGGGGCGGGTTAGGGCGCCTTTCGATTGCATC
AGCTGGTCCAGCCGAGGCCAAGTCCCGGGCGCTAGCCACCTCCACCCGCTCTTGGCT
CCTCTCCTCTAGGCCGTCGCTTTCGGGTCTCTCATCGCTTCGTGTTGCCAATGTTTG

>EP73624 (+) Hs TCF12; range -499 to 100.

CCAGCTTAGGGTGGCGTCCAGCTGACCTACTCGGGAATGGCAGCCTTCAAGTGTCTCTGCG
GCCTCGGGTTCCGGGAAGCTCGGGGACCTGGGCAGCGGATCCAGATGCTTCCACAGCTGT
GTCTCCGTCGCTCCGCTTCGGGGGCCGAGAACCAGCAAGACCAACGCGAGGAGGCGCCAC
GGTACCTGCCACCCGCTCCAGGAGGCCCGGACGAGGCTTCGTCGGCGAGCGGTGCGGG
CCTGCTTCTCGAGGTGCTGCGAGCGCCTCATGCCCTCCCCACCGGCCCACTCCGTC
CCGCTCACCCGACCGCGGGCTTTGTCCACCCGCCGCGGTGCGGCTCCTCCAGTCCCCG
ACAGCTCCTCCCCGCCCTCTGCCGGCCCACTTCTAGGCGGCGGAGCGGGTCTGGGGA
GGGAAGGGTTAACCCGCGGCTTTCCCGGCGCGGAGGGATCCGGAGGCGAGCCGAGCGCG
GTGGTGAGGCCGCTCAGCGAAAAAATGTCCGCTGAAGAGACCCACAAGTTCTATTCTG
GGGGGACCGACAGCCGCCCGGGAGGAAGGGGCGGCCAGGCCGAAAGCCGCTCCCC

>EP73625 (+) Hs UGDH; range -499 to 100.

ACCACCCACCAAGTGTCCGCGCAGCCCTAAAGCCTGGCAGACGCGGAGCGCACGCGGCCT
TTGCCTCGGCCAGGACAGGGCAGCGGGAGAGGGCTGCTAGACAACAATTCTTGACCCCT
CCTCGACCCACGACCGCCAGGTAGGCGCGCAAAGCTCTACACCTGCGGCGCGCCCCGT
CCCCTGGTCCAGCGGACACGCCACGACGAGCCCCGCCAGCGCCGCTGCGGTAAGGG
CGGAGCCGTGAGCTGGCCAAAGCGGATTTGCCAGCTAGGCCAGGGGCGGGGACGGCC
TCCAGCGCAGGACCAAGCTCTCCCGCCCCCTGAGCCGTGAAGGAAATAGGGACCTG
GCCCTGGGCTTGTGTAGCGGGAGGGGAGCTAGGAAGCAGCTGAGGGCAGAATCCAGGA
GGGCTGCGTGGGGGAATGAAGCCTCCGCTTTCGAGGCAAAAGCCTTTAAATACGGG
CTCAGGCCCGGGACTCAGAGTGAACGCGTGGCAGCCTGAGGGAGGGGCGTGCGCGAGA
GGGAGCTCAGATCAGCGGGGCGCGGGTGGAGAAGCTGCGGCGGCGCGGCCGCTAGGAAG

>EP73626 (+) Hs ZNF134; range -499 to 100.

CATGGCCCTGCCTGGGACAATTCTCTGTAACTCTGACCCAATGAGGCTCACAAAAT
GACTCAAAGCTTCCCTCTACAGTACACATATTTTTTAAATGAAGGAAATTTGACTGAACT
ATGAGTGGACTCAGAGTGACATTGGATGTTGTGTGTCCATTTGGTGGTGTGGCTTCAGGG
AACATCTGTAAGAATATATCCCAATATTTGCGGGATCCCTGCAGACCTCACTACACAAGA
CCTGGTTGAGGGTCTTTAAAGGAGCGAAGCCACGCCCTGACCTCAGAGTCTCAGGGCA
TAATTTCTCAGCGCCCTCGCAGTACCATTTGGCCTTTGCCAGCGTGCAGGGGAGTTAG
CCGTACCCACGGCCAAGTGCACATGAGAACTGCATTGCCAGAAACCTGTGCGCGCCCG
GCGGCGGCACTCTTAGGGGCGTCTCCCTGCGGACGGAAGCTCTCTGGGCGGGACTTCCGG
TATCTTCTCGCGGTGGACATCTTGTGCGCTCTTAGGTGGAACCATCGGAGCAGAAGCTC
GGGTTGCTGGGCGGTTCCGAGGTGACGGAAGCGGGAGGGTGCGGGAGAAGTCGCTGTTT

>EP73627 (+) Hs PTP4A1; range -499 to 100.

AGGCAGTAGAAAGCAGGCTCGACACTGAGACGCGGTTCCAGCCCTAGAAGGATTGCATTT
TACGATTCAGGCAAACTTCGAGTCTCCTCATGTGACATGTGTGCACTCCTGGACGTTTT
AATTATGAGAAACGTGGTTTGACAGCATGATTCCTTCCAGTCGATAAATCGGAATCTCTCT
CGCTCCCACCCCTTCTTAATTCAGGCTTCTGCTATCCCGGAGCACTCCCGGAGCCCT
TCCCTCCCCCGCCCGGGGATGCTCCGACTCGGCGCTTAGCCATTCATCAACCGGTTAC
ACCGGCGGCGGCGCGCGGAGTGACGTCCGGAGGGGCGGGCCTCCGCCCCGCGCTGTC
GGCTCCTGGCCCGCGGTTCCAGGCCGCGATTGGTGGCTGGAGGGTTGCACGTGCGCGCGG
CTATAAAGGGGAGGGCTTGTGACGCAAGGGCGCCTCGGCGCGTGATTGGCTCCTTCGGC
TGCGGGGCCGGCTCGGCTACGCGCTCTGCTCCGAGCCGCTCACTGCATGGTAGAGTCTGGT
GCCCCCGCGCGCCTGCATCGCCGCCACCGCGCTCCGCCACGACCACCGCGCCTCCT

>EP73628 (+) Hs PDHX; range -499 to 100.

GGCCCGAAACCCCGCCCGCAGCTAAACGCCCGGCCCGCTACCTGCGCCAGCTCCAGC
CGCCGGGTCCCGCTGGGCTCTCTCTGGGAATACCGGGCACCAGTGGCCCCGCCCT
ACCTGCGCGCCGATCTCCGGGAACAACAGTCTCCCTCCCGAGCATCACAGCCAGACATG
GCCAGACAGGACCCGCGCGGCTTCAATCTCCGCACGGCTTTGCGCGCGGCGCTTAG
CCTGGGATACGGCAGCGAGGCCGCAATGCAATCAGGCGGCGCTGAGGGCAGCCCGGGG
CGGGGCGAACGGGGCGGGGCGGGGTCTGGTAAGGCCCGCGCGCTGAGATATCCAGCG
GCGCACCTGACTTCCGGGAGGCAAGGCCAACGTGGTTGGAGGCGGGGCTGGGTTGGGGG
GCGGGGGTTCAAGTCTGAGAGACCTAAAGGCACCGCTAGCGTCTGGGGCGTGCCCAACC
ATGCGGGAGGCGGGGCTTGTGCTGGACATCAGGCTGTGCTGCGGGCAGCCAGTGAGAA
GGCCGTCAAGATGGCGGCTCCTGGAGGCTGGGCTGTGATCCGCGGCTGCTGCGTTATCT

>EP73629 (+) Hs TAF15; range -499 to 100.

AAACCGGGAAGCGATCAGGTACGCGAGCTGGTCACGACTCACAGTCCCAGAGCTCGCCGA
CTCCGAACGCCCCAGGTGGCCCAAGCACTCTGCAGCAAAAGCCGCCAGCTAGGACGTAC
CATTCGAAATTGTAGGGAAAGAAAGGCTTTGCATAACCAATACTCTGTGTTTATAAGGT
CCCTCCTCTTTCTTCTAACCGCAAATTCATCACACCAATAAAGTGAGAAATAGGA
TTGTAAATAAGACGGAGCAAGTAGGTTCCACTTCTCCCGATCGTGATCGTGGCATTGG
TACTTTCTTCTCAATTCCTCTCAATAATGGTACGGCTAGCGGAGGGGGGAATAGAGG
GCCCTGGGAAGGCTCAGGGCTCGGCGGCTAGTACAGTGCAAGAACATCCCTCCTGCCG
CAGCTTTGTGGTACCACCCGCTGCCGCTGATTGGCTGCCGGGGTCCCGCAGTCCGCTC
AGCCCGCGCGCGCCCTCAGTACAGCTCCGGCCGCCGCGCGCTGGCTTTCGTATTCTG

TTGTTCTCGGCGGGCTGTGGGCGCTCCGCGCCGCGGCCGTTAGTCATGTCGGGTAGGTGA
>EP73630 (+) Hs TPST2; range -499 to 100.

GTCAGGGCAAATCCCTGATAAATGGAGAGAAATGTGGTATATCCACAAAACTCCCTCCA
AAACCACTGGTGTGTATGACTATACATCAGACCACCCCTTTCTTTTTTCTGTGTTTTACA
CAAACAGTAGCACGAATACACCCGCTGCGGGTCTACTTTTCTTTTCTTACACCCTTTT
TGGTGATCATTCCACTTCATTGCTTACAGGCAGAAAGGAACTTCTCTTAAACAGAACTGA
CCGGGAGAAGTGGTGAGCTGCCGCTCTAGGGGTAAGCCAGCGAGCAGACAGGGGCTTCC
AGGGCGGCGGGGCGGGGTTCCCGGGGCGAGCTCCGGGAAACTTCCCGACCAGCCTCTGC
TCACCTCGCGGTCCCGAGGCGCAGTGGAGGGGATGGGGCGGGGCGGGGCGGGGCGCGTA
TCGGGCGCGCCCGTACGTACGTGCGCGCGGCCCGCGCCCGCGCGGGCACCTCCCC
TTCCCCGGCTGGGGCGGCTGGAGAGCCGGGAGTCTGCTGGGTGCGTGGGGCTGCTCGCCG
CGTCTCGCCACGGTAGGTGGCCCTGGGGCGGCAGGGGTTGGCTCGGGTTGCAACCGGGG
>EP73631 (+) Hs KLK3; range -499 to 100.

TGGGTTGGGAGTGCAAGGAAAAGAATGTACTAAATGCCAAGACATCTATTTTCAGGAGCAT
GAGGAATAAAAGTTCTAGTTTCTGGTCTCAGAGTGGTGCAGGGATCAGGGAGTCTCACA
TCTCCTGAGTGTGCTGGTCTTAGGGCACACTGGGTCTTGGAGTGCAAGGATCTAGGCAC
GTGAGGCTTTGTATGAGAATCGGGATCGTACCCACCCCTGTTTCTGTTTCATCTCTGG
GCGTGTCTCCTCTGCCTTTGTCCCTAGATGAAGTCTCCATGAGCTACAGGGCCTGGTGC
ATCCAGGGTGATCTAGTAATTGCAGAACAGCAAGTGCTAGCTCTCCCTCCCCCTCCACAG
CTCTGGGTGTGGGAGGGGTTGTCCAGCCTCCAGCAGCATGGGGAGGGCCTTGGTCAGCC
TCTGGGTGCCAGCAGGGCAGGGGCGGAGTCTGGGAATGAAGTTTTATAGGGCTCCTG
GGGGAGGCTCCCGACCCCAAGCTTACCACCTGCACCCGAGAGCTGTGTACCATGTGG
GTCCCGGTTGTCTTCTCACCTGTCCGTGACGTGGATTGGTGAGAGGGGCCATGGTTGG
>EP73632 (+) Hs ASNS; range -499 to 100.

GCTGGTCTTGAACCTCTGGTTCAAGTGATCCTCTTGCCTTGGCTTCCCAAAGTGTGGG
ATTACAGGCGTGAGCCACCGTCTCTGGCCCGATTTATTAATAGATCTTATAAGGACATT
TTAGGCCTCACGCATCAGTTTCTTAGGACAAGCTTTTCTCTGCACTGCATAATAAATCAG
ACGGCAGTGCAACAAAAAACGGTGATGATTTCCGAAGAACAAACCAAGTTCAGAAGCC
TCCCTAATTGTGAGAACAGCAGGTAGCCTGGGCGGAGCTCTGAGGCTATCCTTAAACAGG
CGCACTGAGACGCAAGGCGCTGGAAACAAAAGAGTCTCTCTTGCGCCCTTCCGCCGCC
CACTTAGTCTGCTCCGCCCGGACACCCCGCGGCCCGCCCTGTGCGCGCTGGTTGGT
CCTCGCAGGCATGATGAACTTCCCGCACGCGTTACAGGAGCCAGGTCGGTATAAGCGCC
AGCGGCTCGCCGCCCGTCAAGCTGTCCACATCCTTGGCCTCAGCCCGCCACATCACCT
GACCTGCTTACGCCCAGGTGAGCCGGGTCTTGCGCCCGCTGCGCCCGCGCCAGC
>EP73633 (+) Hs ADM; range -499 to 100.

CCGGCCCCCTCCGCGGAGTCTGGGGTGCGCCCGGTCAGGCGCAAGCCGGCAGGGGGG
CGCGGTCCACTTGAGGGCCACAGCTCCCCAGGTCCAGGGCTCGGGCCATCCGCGCTGTCCC
TTCCGCGGGCTCTTGCTGTTCTTCCGAGGAGGCTTTCAGCTCCGGGCGCATGGGTCTT
GGATAAGGACCTCAAGAGGTTGTAGTGGCGCCCTTCGCTCCGGCGTACTGTCTGAACCC
TGTGCCCCAAGAGGGCTGTGGCAGTTTCTGCACCAACCGCCTGGAGGCCATACCTAAGCC
CTCTGGGCACGAGGGACCTCTCTCCCCGCTCCCCCTCCCCCATCCCAACTCCAGCC
CCAAAGGAAGCAATGCGCGCTCCGAGAGCAGGAGCGCGCTGGCTGAGGAAAGAAAGGG
AAGGCAACCGGGCAGCCCAGGCCCGCCCGCCGCTCCCCACCCGTGCGCTTATAAAGC
ACAGGAACCAGAGCTGGCCACTCAGTGGTTTCTTGGTGACACTGGATAGAACAGCTCAAG
CCTTGCCACTTCGGGCTTCTCACTGCAGCTGGGCTTGGACTTCGGAGTTTGGCATTGCC
>EP73634 (+) Hs EIF5; range -499 to 100.

CTGCGGGGAGAACCGGTCGGGTTCTCTCCCCGAAGGTGGCAGCCGCAAAAACACGGCC
TCGAAAGCAGTTTCGAGGACGATGGCTCTGCGTCCCGGGAGTCGCCATGACGCCGCGGC
CTGTCCCAGACCCCGGAGGGAGGGGACCAACCACATCTCCCCCTCAAGGCCAAACCG
ACAAAGAACGGCCCCCGTACCCCGGCCCGCCACCAGGGCCACTCCGGGTCTCGCGAGA
CCCAAGGGCTGCGCCGCGAAGACCTCTGGGAAAGGCGGGGGGAGGGGAGAGGAAGGAAGC
GAGACCGGGGCTGGAGGCGGGCCGAGGCCGCGAGTTGAGCCTCAGGAAGCAGAAGGGGCG
CGGAAAGATGCGATTGACGTGCGAAGCGAACCAATGACGAGCGAGCTGTGGCAGGCCTCC
AGCCAATGGGCACTGAGGCCTGACGCGGGGGGCGGACGCTGGGGCCGAGGGTAGCTTGAG
CGCGGCGGCGGCGTTGTTCACTCAGAGCGAGAACATTCCAGAGGTGAGTCCGGTGAAGGG
GCGGCCCCCTGCCGGTGCTTCCCGCCCCCTCGACCCCTCGGGCGCTGGCTGGCGGGGA
>EP73635 (+) Hs TNNT1; range -499 to 100.

AAAAAGATGGACAGAGACAGAGGAGGAGACTAAGAAGTAGAGACAGACACAGAGACAC
ACAGATGGAGAGCCACAGAGACAACAGAAATGGGGGTCCAGAAAGAGACCTAGATAGAAA
GAGGGAACAGAGAGAAGAAAAACAGGAAACATTCTTATAGCCCATGTGTATTAGTAGGT
CCTCCAAGGACCTACTGTGTGCCGGGATGGGGACGTCAAAGCACAGGGAGCTATAAGGG
AGGTAGTTGGAGCACCAGGGAGCCTGGGGTGTGGGGTGGGAGCAGGGGCGGGGCTCCTG
GGCCATGCAGATGGGGTTGGCATGGGGTGGGGAGGGGCCCACGGAGGCTTCTGGACTCT
GAGTGTGGAGCCAGGGGACGAGGGCTGTCTCTGAACTCCAGGCTTGTGTTTGAAGAAA
GGAATTCTCTCCCCCTCCCTCTCCCCCTCGGGGCGGGCCGAGCCTCCAGCTATAAACTCC

CCGGAGCTTCAGTGCCCTCAGCAAGGCTCAGCCTCAAGATTCACAGCATCTCAGACACAG
CCTAGGTAAGGGGCTCTGCGAGCCCTGTGGTCTTCAAAAACCATGTCCTTGGGGGAGGG
>EP73636 (+) Hs TPM2; range -499 to 100.

AGGCACTCAAAGTCCGAGGAGCTCCGCCTCCGAGAGACATTTAATCCGGGGGGATTGT
CAGGAAACTTCTAAATTAAGGGTAGCGGCTGCTGCAGCTGAGGGGGGGCACGCCGTCCC
TGCGCCCGGGCAGCTGCCGTGAGCTCACGCCCCGAAATAGCCCCAGGGGGCCCCAGCCGA
GCTGCCACTGGGTCCGGCTGTCACTCAGAGGAAGCACGGAGCCCCAGCCCAAGGGTCCC
CTCCCCCTTCGCATCGCCGGGGTTTTTCCAGCCGACCGTCGGCCACTTTTTCTCCGACGG
CTGGCAGGGAAGAGGGGGATGGGGGCGGACCCCAAGGGAGGCGGTCCCCAGTGGGTGGG
CGAAGGGGGCGCCGACCCCCCGGCCGGGCGGTGCTTCTGCCCTACAAGGTTTGGGCC
GAGGTGGGGGAGGGTCTGTTGCCGGCCCCGCCCCGGTCCCTCCCCGCCTTTTAGGCGCC
CGCGTGGCCGGGACGTCCCAGTCCCCTCCGTCTCTCGCTGCCACCGGTGCACCCAG
TCCGCTCACCCAGCCAGTCCGTCCGTCTCACGCTGCCGGCCGGCCACCCCCAC
>EP73637 (+) Hs CRISP2; range -499 to 100.

AACGGGAAGAGGGACAAGAACATGAAGTGTATGAGGGAGCCTGAAACTGACAACCTG
TGTAACCTGGAGTGCCTGTTGGCATGACACTGGCAGCGCACTGCAAACCTAAGCACCTGT
GGACTCCTAATTAGCTCTTTAAATGAACATAATTCAGGCATTCTTGTTTGAATGC
GAACGCCTCCTTTTCAAGCCACCCCTGGGCAACCCGAATCCTTATATGACCTCCCTCC
TCCTCCTAGTACGGCGCAGGTATGCGAACAGACATTTTCTTCTCATCAACTGGTGGTA
ATGAGAAAAAGAGAAGCTCTGCTTTTCAAGGGAAAACGTGCAAGATTTTCTCCGTAGTA
GGGGAGGCGGGGGCGATGGGAGGAGAGCAGCTCACGTAGGCAGATAGCGGCGATGAAAGC
ATAAAGCCCAGTGACGTGCCACACGTGGCGCCTGGCAAGTGAACAATCGCGGTGAGAG
GGGCGCGCCGACGTCTCAACGCCGCAACGCGCCGGCCCAACTGCAGGAAGGTCTGTGC
TCTGGAGCCAGGTAATGTAAGACCCGGATTGGAGACTAGAAATGGTAGGGACGGGGA
>EP73638 (+) Hs TXN; range -499 to 100.

AATTCCGGAGAGGAGGCAAGGACGTACACACCGAGATACTTCCCGGTACCGTTACTCAG
CACTTTGTGGGGTTACGTGGCTGGGGGGCGGGGGCGTGGCGGCCCTTTTCGAGGAATC
CAGCCCTGCCTGGGCGGTCCCCATCTCGAGCGTGGGCGTGTTCGATTACGGCCCGGCGGA
CGCATCCCCAGGTGACCCGGGAGGGACCTTGTGTCTCTGGGGGTGACTGTCCGTCTCCCC
GCCTCCCACCGTCACGCGCAGTGCTGATCCCCACTTCCAGCTGGAGTGCAGCTGGGCTT
GGGGTTACAGGAGCCGAAGCCCTGGAGCTCCGCCCCACGCTTGCGCCAGCCCCGCCCGA
TCCCGGCTCGCAGGCTCCAGGGGCGGGGCGTGGCCGGGGCGCAGCGACGGGCGCGGAGGT
CCGGCCGGGCGCGCGCCCCCGCCACACGCGCCGGGCGTGCAGTTTATAAAGGGAG
AGAGCAAGCAGCGAGTCTTGAAGCTCTGTTTGGTGTCTTGGATCCATTTCCATCGGTCT
TACAGCCGCTCGTCAGACTCCAGCAGCCAAGATGGTGAAGCAGATCGAGAGCAAGGTACG
>EP73639 (+) Hs TXNRD1; range -499 to 100.

GACTAATCCATGACCTTAAGGCAGTGGGTCCCAAACCTTTGCTGCCAACTCAATCACCTTT
GGAGTTTTTTTTTTTTTTTTTAAACGCAGAGGCCAGGTCACTCCACACCAATGACATC
AGAATGTCTAGGGGTGGGAGCCAGGCACCGAGATTCTAAAGACCCTCACGTGATGACAAC
AGCTAGCAAAGTTCTGTAGCTACTGCCTTAGGGCATAGTCTAATTTCTCAGTAAAAACA
CACTTATTCCAAATTTGGTTCAGAATTGCCTTAAATTGTTTTGCTCTGTTCTTAGGTT
GGGGGCGGCTATGAGCAGGCAGAGGATGTGGTGTACCCAAATTAGGAGCTCTCAGCTTAC
GAGGCAATTAGCATAGGTTGCCAGGGCTGCACGAGGAGTGGATTTCTGCTTTGTCTTCT
GACTCTGGCAGTTAGCCCGCCCGCTCGGCGCAGGGCGTGGCTTCTCGTAGCCATTAGGAA
ACAGCAACCCTTTCACCTCAGTTTTCTTCACTCCGGCATTTCAGCAGAGCGAAAGGTGG
TCGAGTCTGAAGGAGGGCTGATGTCTTCATCATTCTCAAATTCTTGAAGCTCTGCGT
>EP73640 (+) Hs UBE2A; range -499 to 100.

GACCCAGTCTCCGTTCCGAAGGGTTGTGCACCCTAGAGTTGCCGCTTTTTGAGAAC
CGGTTTTTACCTCCGCCACTCTTCTGTCCTCTAGTTTGGGACTTCCAAACTTCTCCCCCT
TCCTCCCCGGGCATAGTGCGCCTTTTCATGAATGATCTGGTCACAAAACAAACAAAACG
AATAGAAAAAGAAAAAAGAGAAAAAAGAAAAAAGCCGAAAACCTCCAGGGTTTGCCTT
AGAATTAGCAGGTGGGGATGGACCCGTTCCACCACGAGCTCTCCAGCGCCGGGGCTC
CGGCGTACCCTACGCTCTGCGCTCGCGGCCCCGCCCCGGGCTCCCGTGGGGCTTTAAT
GACATAAGCAACTTCTCTGCGCACCCCCCGCCCCGCTTGGTACGGCTGTCCGGCGCT
CGACGTTCCACCCCCCTCTCTGCTCTCAGGTTGGTTACGCCCCGCTTACACTGGGGT
GGTGCTTAGCCGGCGCCAGACCGACCTCGACTTCGGAGAGGCAGCGCGGTTCTCTGGG
TGCTTCCGCCTCCCCTTCTCTGCTTCTCAGCCTCTTCGGCCTCTCGCCCGCCGCGGG
>EP73641 (+) Hs CXCL6; range -499 to 100.

TGCTTATCAGCTTAAGGAGATTTTGGGCTGAGACCATGGGGTTTTCTAGATATACAATTA
TGTAATTTGCAAATAGGGACAATTTGACTTCTCTTTTCTAATTGAATACCTTTATTT
CCTTCTCCTGCCTAATTGTCTGGCCATTGGAGAGGAGGAGCATCTCCAGACAGCTGCG
TGCTCAGAGAAGCCAGCCTCGCTAACCCCTCAAGCCCAGGGGATGAGACCTGTGAAT
CGCTGCTCTATTTTGGCTGGAGCCACAGCTCCCTCCACCGGGGCGGGGCTAAAATGTC
CTCCCCCTTAAGGGAGCAGGACGCTCCTCCAGCCACCCACCCACCAATTCCCATCCTC
CCGCCCCCTCCACCAACCCCTCTTTCCACACTGCCCCCTGAGTTCAGGGAATTTCCCC

AGCATCCCAAAGCTTGAGTTTCTGCCAGTCGGGAGGGATGAATGCAGATAAAGGGAGTG
CAGAAGGCACGAGGAAACCAAGTGCTCTGTATCCTCCAGTCTCCGCGCTCCACCCAGC
TCAGGAACCCGCGAACCTCTCTTGACCACTATGAGCCTCCCGTCCAGCCGCGCGGCCCG
>EP73642 (+) Hs BLMH; range -499 to 100.
TCGGGTGCATTCTTGTGACATATCGACCCGTCTAAGCCCGACGCTTAATTATGGGACC
TCTCAGCTCCTCCCTCCGCTCGAGCTCCCTTTTGGCTTCTCACAAGGCTTCTGGGGA
CGATTCCCCGATGCTAGAGTACTGGGGTCTGGGCCCACAGGGAACCCGTAGCCTCCCT
CCTTGGAGCGGGCTGATCCCGGAGGGCGCCGCGCGGCCGGAGGCGGGAACCTAGGG
GGAGAAGGCGCCGGCGCCGCCCTGGCGCGCAGACCATCTGTGCGGTCTGCGCGGGGGCA
GGCGCGGCTCAGCCCCCGGGCGCTGGCGGACCCAGCGCTCAGCTAGGCCGCCGCCGTC
GGCCCTCCCCCGGGCGGGGCCAGCCCCGACGGCGCTGACTCAGCAACGCGAGGGGGAGT
TTTGTCCCTCCGCGGACCCGTTTCTCCAGCCTCAGCCTCCCCGCCGCCGCCGCCGCCG
CCGCCGCCGAGCCGTTTCTTTTCCGGCGCTCCGGGTGCGAGAGACAGGTGCGGCCCC
CTAGGCAGCGAGCCGACGCAATCCCGCGCTCGCCCAAGGACCCTGGAAGCTACCGTT
>EP73643 (+) Hs CNN3; range -499 to 100.
CTCCGGCCCAGAGGCTCCAACGCTGCTATTGGTGTTCAGCAGCGGGCGAGGGTCTCG
CCCGCATCTGGGCGCGCTGGGCCCAGAGCCGGGAGGAGCAGACGAGGCGGGCGGTG
AGCGGCGGGCCAGCCCCGGTTCGGCTCCCTCCCGCGGCCGGTCCGGGCCGCGCG
CGGAGGATGCCTGGAGTTGACGTGAATGGCTGTGGCTGGGAAGCCCCAGGCGCCCTG
CCTAGCCCCGGGGCGGGGCCCTAGCCGCCGGCCCCGGTGGCGTGAGGGCTGGGGCGGG
GGCCGGGGACCTCGCGGGAGGGAGCGGGAGGGAAGCGCCCCCGGCCCTTCAATTG
GCCGCACCGCCCTCGGCGCAGAGGCGGGAGGAGGCGGCCCTCATTGGTCGGGCCCGGC
GGCCAATCTCGAAGGCCAGGCGGAGGCGGGGGCGGCTGTGGGAACCGAGGTGCGGG
CGGCGAGCGAGGCGAGCCGGGTGCTTCGAGCGGAGCTCGAGGCTCTGTAGCACCCAGTTG
GACCCAGTCGCCAGGACCCGCCGCGCCCCGCGGCCGTCTCTGCGCCTCCAGAGGAG
>EP73644 (+) Hs COPEB; range -499 to 100.
ACGGGCGTGGGGTGGCGGGACCGGGCAGCGGGGAAGAGAGACCGGGACTGGGGACAGGCG
ACGCGGCCCGCCCCGGCTCTCCAGCCCCGGCTCCCTTAGCTCCGGCCGCGGGCGCAGTG
CAGGGCTCGGCCGCGCACCTCACAGCGCGGACTCTCCGGCGCGCGGCCGCCCGCGCCTT
ATATACCCTGCTAAAAATAGCCTGCGAGGCCACTTTCCAATCAGAACGAGCAGAGTTCA
ATTGAGCCAATGGTGCGGGCCGTGATGGAGAGTCTCGGTACGCCAGGCGGGGCCGTGT
GTGTGCGCGCTGCGATTGGCCGGAGCTGACATCATCGGCGCGCAGCCCCGGGCCGGGA
GCCACGGGATTGGGCGCGCACGCGGGCGGGCGCGGGGCGAGTCACGTGGGGGAGGGGA
GTGGGGGAGCAGGCGGGGGCGGAGGGGGAGGCTGGCAGCGGAGCTTTGAATAGGGGAAG
TTTTGCAGGGGTACGTTTGCAGTCAGTCCGGTGTGTTGCAAATATTGTGTGGCTCCGCG
CGCTGCGGGTGCGGGAGGGTCCGGCCGGCGTCTCTGCGAGCCTGGAGTTTGCATGAAA
>EP73645 (+) Hs CPA1; range -499 to 100.
GGTCTAATGGGGGAGAGCCTGGGCTGCCTGAAGCTGCCTTGGGGACAAGAGAGGGCAGA
AGCCCCACTTGCTCGATACCGGAATGAAAGGCTGGCACTCAGGAGCACGGAACAAGGAG
ACGCTTGAATGAGGCCCGCAGGAGTGGCTGCTTGGAGTCTGGCTCCTTCTCCGCTA
CCCAGTGGGCAACAGAACCGCAGCTTTAGGGTGTGGGCAGGCGAGTCTGGCTGGGAC
TCCAGGAGGCCCTCGAGCCCCGCTGACCTCAGGCCCGCTGGCCCCAGATGGTCGGGGG
TGGAGCTCTGGCTTATCTCTCCAGCTGCCAGTTCCTGCCACTTTATCATGGAGGGTGA
GAGGGTGTGAGAGCTCAGAACTCCACCCAGCCTCCCCGTGGGACAGGACCCAGGTGCT
GGGGGAGAACAGACCTCGGGAGCAGCCAGGAGTCTCGGTCTGGGAGGGTTAAAGCC
AGGGGGCCGTCTCGACCTCAGTCTGACCTTCCCTCCCGGCGAGCAGTGCGGGGTGTCT
GGTGTGAGTGTCTGTTGGGGGCTGTCTTTGGCAAGGAGGACTTTGTGGGTAGGGATG
>EP73646 (+) Hs CPA2; range -499 to 100.
GAATGGGCCACATCTACAGGGACACTCAGCAGATGTGGACTGAGTGCAGTGTTC
AGGTAAACATTATAAAATAAACAAATGAGCAAATAATGGAATGTGATAGACAGGATGC
CTGAGTAATTACTATAAATGCTCTGGCCTTTTTTTTGTGTGTGTGTCAGAGACCCAGAAA
AGACTTTAACCTCTAGGTCTATTAATCTGGCTTCTATCACAGGGTAGCTAGTGGCGTTTT
ATGGTCTCAATCATAACTATATTGCCCTTGGTATGCTCTAGCAATTTTGTCTTTTCCA
TCAAAGTTTGTATCTTATCTAGGAATGGAACATGTACACATTGGTGATATCACACAGG
TGGATGTCTACAACCTTGAGAATTTACATGCAGGTGGGAATTTTCCCATGTGGGAATTC
ACGTGAGTTCTCAGAAGGCCAGCAGATCACCTCAGCTGCCATCCCTACAAATAAAGTTC
AGGAAGGACTCTGAATTCTGGACTCCAGGAAAACCATGGCCATGAGGTTGATCCTGTTT
TTTGGTGCCCTTTTGGGCATATCTACTGTCTAGAAACATTTGTGGGGTAAGTTATGCTT
>EP73647 (+) Hs CPA3; range -499 to 100.
CACCGTGCCAGTCAATTTAAATGTTTTAATTTCAAACTTACATTCTAGCTTCAAAAA
TATATTTTACATTATTACGAACCACTACCAAGATTTTATGGCCAGATACCCAAATTCAT
CTCAGTCTCCAAGTGCAAATTTTAAACTAATTTCTCCATCATTCATTCAAGCAGAA
GGTAGAGTAGTATTTTAGAACAGATAGAACTAGTAAATCCCAGCTCTGTGAACATACTTT
CTCTGTTACCTTGCCAAAGTTATTTGCTAAAGGCATTTGCTTCCATCCTGTATCTGTAA
AATGGGTATTTCTATTGCAAAAGGTAGATAAGTAGCATGTGCTTGGTGGGTAGTGTTT

TTCCCTCTCCAGCTGGAAAAAACCCTGGTGTGGGGGAAGAAGGGGAACAGTTTGTGC
AACAGAACCCTAAGAGGAAATCAGCTGCTCATCAAGATAAGGGCTGAGGCATAAACTGC
CAGAGGGTCTCAAGGCAGGCAAGAAGAACCATGAGGCTCATCCTGCCTGTGGGTTTGAT
TGCTACCACTCTTGCAATTGCTCCTGTCCGCTTTGACAGGTAAATCTTACTTCTGTGTT
>EP73648 (+) Hs CPB1; range -499 to 100.

TTAAGTTTAATACAGGCAAAATTAATGTATAAAGCCAGAAATCAGAGTAACATTTGCCTG
AGAGGAGTACAGAAGTAGACTGGAAGGTGCTCAAGGGAACCTGTTAGGGTGATGAAAT
GTGCTATATCTTGTGTTGGGATGTTTATTACATGGGTTTACACATTTGTCAAACTCATCA
AACTTTACACTAAAATCTGTAGAATTATTGTATGTAATTCTCAATTCAAAACAGAAAAA
AATACAAAATAGATTTTATTTAAATCTAATTTACTCTCAGACTATTCAAGTTCTGATCCA
AATTAATAAGTTGAATTTGAGAGTATTTACTCTATTTCCACAGGTGTTGAGAGAGATAC
CCTCTCAGACTTTACACAGCTACCAAGGCAACAATGCCAGGAAAACCTATTAATCAAGATA
TGATAGTTCTCTGTTTGCAATCAGGAGAAGAAAGCAAAGAACACTCAGGATTATAAAGCA
GATGAGACCTACCCACTAGACCTGGTCAGACACAATGTTGGCACTCTTGGTCTGGTGAC
TGTGGCCCTGGCATCTGCTCATCATGGTGGTGAGCACTTTGAAGGGTAAGTAAGCCATCT
>EP73649 (+) Hs DPT; range -499 to 100.

ACTTAAAAAAGCAAGGCAATTCAGCCTTACAGAAATCCTAGATGGCTCTGTTACTTCA
GTCTATGATTTTCGGTATTTTGAATCACTGTCTGGGTATTTGTGTGGCCCGGAAGGCTAG
TTTGAGAGACAAATACAGGGGTTTGCTAGTAGCGGGTAGGGTAGGACAGAAAGGGGTGAG
GTGCTGAAAGGTGAGGGACAAATATGCTACTAATCAGTGTTTTTCAAGTGAATATTTCTA
CAGGGTAGAGCAGCAGTTGGCTTTTATAATCTAGATACAAAGTTGTTCTTTCTCCAGGGA
GCTTCTTAGACTTACATGCTGCTGGTATATTCCTAGAATTCCACCTTAAACAAGCTGAA
TGTCCTTATGGCTGACATCTCAGCATGGAAAAGTTTTGCTTAAGCAATGACACACTGCAG
TTGGATCCTTCTACCCACATCTGGAAGCCACATGTCAGCGGCAGCTATATAAACGGTC
AGACCAGCAATCTTAGAGTGACATTGTTTGCCAAAATCCAGGCAGCATGGACCTCAGTC
TTCTCTGGGTACTTCTGCCCTAGTCACCATGGCCTGGGGCCAGTATGGCGATTATGGAT
>EP73650 (+) Hs FVT1; range -499 to 100.

CCTCCAGCCGCCCTTTCGATGCTCCGGGGCCTCCGAGCAACCCAGCGGGCAGTCCCAAG
CCGAGGGGCTGAACTCCAGGGAGGAGCGCTCGTCACGCCACACTGGAGGCCGTGGCAGGC
CTGGAAACCCGCCCTGCGGGGTCCTAAGAAGCCATTGAGCTCCCGAAGAGCGAGTCTTC
GCAGCCCTTCCCGGCGCGCTCGCATCTGGCGCTGTCCGGAGCCCGCTCGCGACGCACAGG
GACGGGAGGCCCGGTTTCCACGGGAGAGGCTGCGGACTGCGGGCCCCGTCCCGAGGCCGG
GGGAGTGGGAGACACCCGCGACCCCGAGAGGCGATTCTGGCAGTGGTGCGGTGGCGGG
TGGCGGTGGCGGCTACTCGCCCTTGGAAAGCACCGCCCGCCTGGGTGGCGCGCGCGCC
GGCTCCTCTTCTCCCTCCGCCGCGGCCCGCCCCGGCCCCGCAAACCCAAACTCCAGG
CGCCCCCGCGCGCGCTGATTCTCGCCTCGCCGCGAGCCAGCCCTGCGCGCCTTGCCCG
GCGGCCCGCGCCGCGCTCCGGGCCCTGGCCCCGCGGAGCGATGCTGCTGCTGGCTG
>EP73651 (+) Hs GAPD; range -499 to 100.

ACCGCAGAGCCTCGAGGAGAAGTTCCCAACTTTCCGCTCTCAGCCTTTGAAAGAAAG
AAAGGGGAGGGGGCAGGCCGCTGACGCCGCGAGCGGTGCTGGGCTCCGGCTCCAATTCC
CCATCTCAGTCGTTCCCAAAGTCTCTGTTTCATCCAAGCGTGTAAGGGTCCCCGTCCT
TGAATCCCTAGTGCTCTGCTGCCACAGTCCAGTCTGGGAACAGCACCGATCACCTCC
CATCGGGCCAATCTCAGTCCCTTCCCCCTACGTCGGGGCCACACGCTCGGTGCGTGCC
CAGTTGAACAGGCGGCTGCGGAAAAAAGAGCGGGGAGAAAGTAGGGCCCCGGCTACTA
GCGGTTTTACGGGCGCACGTAGCTCAGGCCTCAAGACCTTGGGCTGGGACTGGCTGAGCC
TGGCGGGAGGCGGGGTCCGAGTACCGCCTGCCGCGCGCCCCCGGTTTCTATAAATTGA
GCCCCGAGCCTCCCGCTTCGCTCTCTGCTCCTCTGTTTCGACAGTCAGCCGCATCTTCTT
TTGCGTCGCCAGGTGAAGACGGGCGGAGAGAAACCCGGGAGGCTAGGGACGGCCTGAAGG
>EP73652 (+) Hs GDI2; range -499 to 100.

CTTCCCGGGGGCTCCGGGCCCGGCAAGCCAGCCCCGCGGGAGGAACCAAGGCCGCCA
CCCCCGAGAGGCAGCCCGGCCGCGCTCCTCGCCACGTGGCCGCGCACGCGCCCGCTC
AAAGTCCAAGGGCGCGATCCGGCTCTGGGACCTTGACCGAGCGAGCTCCCGCCCCGAC
GGCGGGAGTCAGAACGGTGGTGGCCAGCAGTCCCCGCCGCGGCTCCGTGCACCTCCACC
CCGGCCCCGCGCGCCGCTCCCGAACCCGTGGCAGAGGCCGCAAGGGGAACCGGAAGCC
AAAATGGCGACGCCCGCCCTTTTCTCTCGCGAGAGGCGGGGAAGGAAAAAAGTTGTG
CGAGCGACGGGGACGTAACCAATTAGAGTGCCGGGAGCGCCTGATTGGCGGCCCTCCCGG
CGCCTGCAGGCCCGCCCCGCTGCGGAGGCTCAGTCACAGCCCTCCCTCCTCGCTCCC
TCCCTCCTCTCCCCGCCAGTCTTCTCTTCCCGTCTGAGGTGGCGGTGCGTCTCGCCT
TGTCGCCAGCTCCATTTCTCTCTTTCTTCTTCCCTTTCTTCTCGCGCCAAGAGCGCCT
>EP73653 (+) Hs GOT1; range -499 to 100.

GTCCCCGAGCACAGACGCTGGGTATTTGGCTGCCAGCCCGGGCCCGCAGGCCGGGCTGG
CACCGCCAACACCTGCTCGGCGGGAACAGGAAGACCTGTGTTGCGGAACTCCCTCCGGCC
ACCTCCCCGTATCTCTGGCCCTCGAAGGTCGAAAGGTGGCCTCTCAGGGACACCCGCC
GCTCGCTCGGCTCCTCCCTCAGCCGGGAGACCAAGGAATAACAGCCTCTGCGATAGGA
GCACGCTCTACCAATCAACCGTAGTCTTCCCCACGCCTCAGCCGGAGGAAATTGCATTG

GTTGCATCATTCTCGGCAGCCGATAAATTGTTTTCTTGGATTGGCTAATAGCGTTCCTTC
TCCCTGTGCCTTCGTCGTCAGAAGCTGGCGATTGGTTAATCGCGTTGCCAAGCTTTGGA
CGCGGCTCGACCATTGGAGGCCGCGGGCCCGCCCCCGCGGCTAGGTGAAGGTGAGTGTC
TCCTCCAGTCGCAACGCCAGACCTGACCTGCCAGCTCCGGGCGTGGGGTGAAATCTCTT
GATTCTAGTCTCTCGATATGGCACCTCCGTCAGTCTTTGCCGAGGTTCCGCAGGCCAG
>EP73654 (+) Hs HMOX1; range -499 to 100.

AGGATTCCAGCAGGTGACATTTTAGGGAGCTGGAGACAGCAGAGCCTGGGGTTGCTAAGT
TCCTGATGTTGCCACCAGGCTATTGCTCTGAGCAGCGTGCCTCCCAGCTTTCTGGAAC
CTTCTGGGACGCTGGGGTGATCAAGTCCCAAGGGGACAGGGAGCAGAAGGGGGGGCTC
TGGAAGGAGCAAAATCACACCAGAGCCTGCAGCTTCTCAGATTTCTTAAAGGTTTTGT
GT
TCTCTAAAAGTCCTATGGCCAGACTTTGTTTCCCAAGGGTCATATGACTGCTCCTCTCCA
CCCCACACTGGCCCGGGGCGGGCTGGGCGCGGGCCCTGCGGGTGTGCAACGCCCGGCC
AGAAAGTGGGCATCAGCTGTTCCGCCTGGCCACGTGACCCGCCGAGCATAAATGTGACC
GGCCGCGGCTCCGGCAGTCAACGCCTGCCTCCTCTCGAGCGTCTCAGCGCAGCCGCCGC
CCGCGGAGCCAGCACGAACGAGCCAGCACCGGCCGATGGAGCGTCCGCAACCCGACAG
>EP73655 (+) Hs LGALS1; range -499 to 100.

GTTAAGTCAGTGGCCCTCTGCAGACGCGCACGCAGCAGGAGCCACGCCCTGGTCCCTGCC
CGGAGTGGCCTGGTCTCCCCAGCTCTGATTCCCTGAAGGACCCTGCACCTCCTCAGCC
ATCTTCTCTGGGCACCCCCTGAGCCAGCCTGCTGGCCACAGGCCCTTCCGCCAACTT
GTGGGCCTAGCTCATCATCAAACTATTTTCACTGGCTTCCCCAATCTCTGCCACAGCA
CAATTTTGGTGGGGAGGTGGAGAGGGATGAAGGAGAATAGGAGGTGGAGCTTGGACTCTG
GCCGGGGGCGCGGGGTGAGGGGGGCGAGCAGCTCGCCACTCTGATTGGTCACCTCTGCT
CCAAAAGTGGCTTCAAAATTCACGGACTCCGCCCCAGTGGCCCCAGCCCTATCCTGA
CTTGCAATTGGCTGAACCTTTCAGGGGGCGGGGCTCACCCGGTCCGGTCCAGTTAAAAGGG
TGGGAGCGTCCGGGGGCCATCTCTCTCGGGTGGAGTCTTCTGACAGCTGGTGCCTGCTC
CCGGGAACATCCTCTGGAAGTCAATCATGGCTTGTGTGAGTGTGGGGACCCCCCCCCAAG
>EP73656 (+) Hs ATP5F1; range -499 to 100.

GGGCGGGGATGGGCTGGGAGGGTCAGTCTCCGGGGAGGGGCGCCCTGGGCCGGGGTAAGG
GAGCTCCCAGGCCCGGGATCTCGGCTCACCGGACCGGTACCGCGCAGCCTCCAAGTCCCG
TTCCATGCAGGCGGGCGCATTGGGGGAAGATTCCACTCCCGGGCGCCGGGGGCGACTAG
GGGGGGTGGGGTTTCTTCCGCATCTCCACGGTTCCAATCCAACCTAGACTCAAATGG
ACGCCGGCCGAGACTCCGCTCCGGCAGCAAAACCCACGTGGTGACCTCTGAGCCTCCG
CCCTCTCCCGAGGGAACCGCAACTCTACTTCTCGGAGAATTGCTTCTATGGCTCCATC
CTGCTTTCGGGTGTGCGCCCTCATGCGATAGGCTCTCAGCGTTACTTGACTCTTCTCGCG
ATAATTTTTTTTTAAAAATCTCCCAAGGAAAGTTGAAGGAAGAGTACAAAATTTTCATCTC
GCGAGACTTGTGAGCGCCATCTTGGTCTGCCCTGACAGATTCTCCTATCGGGGTACACA
GGGACGCTAAGATTGCTACCTGGACTTTGTTGACCATGCTGTCCCGGGTGGTACTTTCC
>EP73657 (+) Hs ATP6V1E1; range -499 to 100.

TGACATGAATAGTCAGAAATCATGTATCCCCCTTTTTTTTTTCTTTTGGTAGAGACGGGG
TTCTCTATGTTGTCCAGCCTGGTCTCGAACTTGAGGTCAAGCGATACACCCGCCTTGGT
CTCCCAAAGTCTCCGGATTGCAGGCGTGAGCCACCACGCCCGGCCAACAATCATGTACCC
CTAAGCCCATAAACCCTGTGTAATTATGCGAAAAATTCCAATAAAGGCACATTCTCCAATA
TACCTAACAGTACTCCTCAAACAGCCCGACTAATTTAGATAGAGGAACTCCTTATCT
TTTCTTCTCTACCCAAGATCCCAGTTTAGGAAAAAATACCGGTACAGGTACAGAGTCA
GCGACGTAGAAGGACCCGAGGACGCGCCACAGGCCGGGACAGGGCGGGGACTTCTGGGC
GTCGCTCTTCTCCATTGGCTGAGAAGGGTCATGAGGATGAAGTGTGCAGTACCTGGCA
GGAACCGGAACCCGCGGTTATAAAGTAAAGGAACCCGAGATCTGCGCAGGGGTTCCCTTT
GCCGATTTCTCTACCTACCTTTCAAACCTAAACTCGAGCCTACTGTTACCCGGCCTAG
>EP73658 (+) Hs ADFP; range -499 to 100.

GTGATTACAGGCGTGAGCCACCCTTCCATTTTTAGAGTTCTATTCTGAGGACTAACGCC
GTTCAACAAGTTGGTGTGAATTTGTTTGCATTTTTCAAACCCCAAAGCCGGCTGGGCG
CCATCCCCATTTGCCCCGGGCTCTCAGGACCCCGACCACAGGCAGGACCCCGACCACAG
GCAGCGCCCCGACTCCAGGCAGCGCCCCGACTCCAGGCAGGGCTACCTCCAATCCCAGC
CTCCCCAGGCCGGGCCCCCGCCGGCTCCCGACAGGCTCCTCTCCCCGTGGCGGGGCCCC
TCGCCCAGGCAGCACACCCTCTAACCCGACCGGGCCCCCACCCTCTAGGAGGGCCGGC
GTTGGGGGAGGGCGCCGGGACGTGCCGAGGGTGACACTCGGGCTTGGGACAGGGCGTGC
TGCCGCGGGTACGTGCTGCGGAGGCTTGGGGAGGGGCGCGAGGCGGGGTTATAGCCC
GGGCGCCCGCGGGCCCCACGCTTTGACCGGGTCTGTCAGCCGGAGTCTCTTGGGACG
CGCTGCTCTTCGCTTTCGCTGCAAGTCCGTCGGTGAGTGCGCGCCAGTGGGTGCCCA
>EP73659 (+) Hs ENO3; range -499 to 100.

GACCCTAAGAGGTGAGACCTCTCGCTTCTGGGGTGGGGGGTCCCGTCTTTCCCCAC
TGAGGACAGAGGCCCGCCAGCGATCTGAGCATGTGTGGACGTCAATCTTGACGCCCTC
TTCCAGGCCCTTCCCAGCCTTGACGGGCTCAGGTTACCCCTGGCCTTTCTTAAAGGTC
ACTCATTCTCTGACGTTTGCAAAAGGGGAATGTAATCCTGGGGTGGGGGGAGACCCCT

CATCTGTAGCCCTCCCTTGCTCCTCCCAAAGGGTGGAATTAGAACAGGGACTGTTATTG
GGAGACAGAAAGTGGGGGATAGTAGTTGACCTTTGGTAAGGGGGCAGGTGCCAGGGCCA
GAGGCTTCTGCTTCAGGCTGTAGTGGGCACCTTGCTGCCAGCCAGTGTGAAGGGGGGAG
GATGGAGAGAAAGAGAGGCGGGGCTGGCTGGGGACCGAGTGGCTCAGGGATAAATGCGCA
GCCTGAGAGGGGGTGAGCTGACACTGTCCAGCTGCCACCTAGACTCGGAGCTCCATCCA
AACCTCCAGCGAAGACATCCAGGTTGGGTGAATCTTCCAGCCCTGGGGGTGGAGGTAGT
>EP73660 (+) Hs PRKCSH; range -499 to 100.

AGGTGGTTGCGCTCCGCATCTCTCGTTGCCAGGTAACCGCCTCCCCGTCTCTCTCCACT
GTTTCCATGGAGATCACCCGCTTCCGTGGCTGACACTGCGTTCTCATTGGCTGAGGCTG
CATAGAGGGGCGGTCCCAACAGTGGGCGGGGTAGAGCCGCGCCGAGGACGGAGGGTCTG
GACACTTTGGGGTCACGTGCTCATTCCGTTTCCCTACCTCCCCAACCTTATCCCGCCCC
TGGGGGTTTCGCGGGCATTTTTTCAGGAACCTTTTCCGGCTTGAGAAGCCGCCACTCCCA
AGATGGAGGTACGCTGCGCCGCCATTAAGAGCTAGCCCTCAGAACTATCCTCTCTAAGGT
TTCACAGTCTGCCAAGATGGCCGTCTCGGCTCTGGCACC GCCCCACTCTGCCTCTC
CCAACATGGCGACCCTGAGTCTCCGTTCCCGGTGCGGAACGTACGACC GGAAGTACGGG
GTCCAGAAATTTCCGCTTTCTTCTGCAGCAGGAACCGCGGTCTGTGACAAGAGGGGTG
CGGTGGATACTGACCTTTGCTCCGGCCTCGTGTAGGTGTGAACGAGCGGGTGGGAGGGCA
>EP73661 (+) Hs PRSS1; range -499 to 100.

CTGACTGGAGAGAAGCATCTTCATATTCACAGGAATGAGCCTTAGATAAGACTTTGCTCC
TCTCATGTGGGCCCCAGGAACTGAAATCCAAGCTTTTTACCAACGCTTGCCCTTCCTTA
AGTACATTAAATACATTCCCAATAGGTGGAAGATTTGTAACAGCTAGGCCATTCTCCC
TCCTTCTAACCTCATCTCCAGGGCCTAAGAAAGCCAGCTCTGTTATCTGGGGCTTGAC
TTTCCCTGTCTTCCCATCCAGTATCCTTGCAAGAAACAGCCGGTCTCGCTCTCTGCTC
TCAGAAGGCAAGTTTCTTATCACCTGTGAATCACAAACCCAGAGAGTGGCCAAACATAG
CCAGGCTGATGCAAGACCCTGGGAAGAGGAAAGCTGCAGGTGTGTTTGTGCTGGGAGGAG
TGGTGACCCTACCTCACAGTCACTCCTCTCTGGATCCTCGTGAGGTATAAAGACGAGT
CCTCCACCACAGTCAGGCACACTCTACCACCATGAATCCACTCCTGATCCTTACCTTTG
TGGCAGCTGCTCGTGAGTATCATGCCCTGCCTCAGGCCCAACACCCCCCGTTCTCTGG
>EP73664 (+) Hs PSMA2; range -499 to 100.

CAGTCGTTCTGTTCTCGCTAATATGGGAATGTCACGAACACGTCCCCGACATGAGGCCG
CGGATCAGAACCGGGGCTGAGGGCGAACTGTGTAAGCTGCGTCTGCTACGCTGCCCGAGG
TCCCGTCATCAGCCCCCTCTCCACGGAGCCCTTCTTTACCTACCCACGGAGGACTGGG
AAAGCCCCGGCGCTCTGCGGAAGCTTCCGTAGCAGTCTCCAGTAGTTTTCGAAGCAC
TCCCCGGGCGCAGACCACGGCGAAACCAAGACCAGCATGGCCAGCGCCATTTTCCC
TGCTGGAAGACCGCCCCGGTCCCGCCCCCTGCTTTCAGCATGCGCACAGGCACAGAATCGG
GCAAGCCTCGCTTCTTAGAACTACAACACCCCGCATGCTCTTGAGCAGCTCTGACTCTC
CTCCAATCATAGAGAGTAAAGGAAAGGTGAGGGGCGGGGAAATGAAAGGAAATCGGCCAC
AGTGCGCATGTGTGCGGCTGTGCTTTGGCTCTTCGGGTAAGATGGCGGAGCGCGGGTAC
AGCTTTTTCGCTGACTACATTACAGGTATGGAAGGGGCCCTCGAGGTCTTCAGCGTAGTCGA
>EP73665 (+) Hs PTMA; range -499 to 100.

CTCCGCGGGCACTGCGCTGGGCACCGCCCGGGGCGAGCGCGGCCAGCACCCCGCCTTCC
CCTCCCCCGCGCTGGCAGCCGTCTGTGTGCCCGCCGCCCTCTTCCCTCCCCCTCCTTCC
GAGCAGCCGCGGGGAGGGCGGGAGAGGGAGGGAAGGGGGTTGGGCGGGCAGCTTTGCCGC
GCTTTGGCTTTCTGCGTCAGCAGCCCCAGCAAAACAGCTGCGGGAGCGCGCTCCGGAAC
GCGCTCGCGCACCCCTCCCCCGCGCCCTCGGCCCTGTGAGACCGGCAAACTCCGGCCT
TGAATGACAGTGCAGTCGCGACTGCGCAGCGCGGGACGCGCGGGGCACTGCCGCTTA
AGCACGCTTGTCCATTGTTTCGGAATCGAGCCAATGAGCGAGCGCCGCTCCCTGCGCTCA
GCCAATAGCGGCCGGGCATGGGAAGCCGAGCGCGGCCCACTAATCTATATTAAAGCTTCT
GGCGCCGCGTGAGTCCCCCACTGGCTGCTCTGAAAAGCCATCTTTGCATTGTTCTCATC
CGCTCTCTTGCTCGCCGCGAGCCGCTCCGCGCGCGCCTCTCCGCCGCCGCGGACTCCG
>EP73666 (+) Hs PTPN6; range -499 to 100.

TTGTCTGTAAATGATAAAGTAGACCCCTGTTTCATAGGGCTGTGGTGAGAAACCAATCA
GACAAGGCATGTGAACGCCATTATAGCACAGCGCCCGGCATCCAGCAGGACTCACTCGAT
GACAGTTGTACCGCCATCATTGTTATTAGCGTGGGCCAGGGAGGGCTGCGTAAAAGCAG
CTGGTGGAGGAGGAGAGATGCCGTGGGACCGTCTGGGTTCGCATGCGTGAAGTATTATC
TGGGCCTGGAGTGTGCAAGGCACACATGTGTCCTTACTGCATGTGTTGTCACATATGTGC
AATGCCATGCTCCTGAGCCTTTGATTGCAGACGTGTGGGAAGTGGGCCCGTCCCCACCC
CCAGTGCCACCTGCTCTGCTTCTTCCCTTGCTGTGCTCTAAAACGAGAAGTACAAGT
GAGTTCCCCCAAGGGGTGCGCCGCGCCTCTTCTGTCCCCGCCCTGCCGGCTGCCCCAGG
CCAGTGGAGTGGCAGCCCCAGAACTGGGACCACCGGGGGTGGTGAGGCGGCCCGGCACTG
GGAGCTGCATCTGAGGCTTAGTCCCTGAGCTCTCTGCCTGCCAGACTAGCTGCACCTCC
>EP73668 (+) Hs RPA2; range -499 to 100.

GCATTACACGAAGAGAATGTGACCTCCTATGTAAAAGAACAAAGCAACTCCACGCGGTGCT
GTGAGGCTAGTGCTGCGAGTCCCTGAGGTGCGCAATTCGCGCACGACCGTGGGTGGGAAA
CACCGAAGCCAAAACCTCCGCTACAGCCCTTAGATGAAGCGCTCGTCTGATTGGTGATAG

TTTGGCGCGAACCTGAGCACGCCGAACAAAGGAAGTGACGGCAGAAGTCGCGCACTTGAC
GAGGGTGGGATCACACGGCGTGCCTCGCGTAGTATTGTTCTGATTGGTTGATTCTTG
CGATACCGCTCTGCCAGCCCCCTGCTTCCGCTAGTGCGGAGGGTTTTGCCCTTCGTAAG
ATGGCCGCGGAGGCTTTTGGAGCCAAGCTGAGCATCCGTGAGCACCGATTGGCTGAAGCGAGCACCCC
CAGAGGAGACAGGAACAAGCGTAGCATCCGTGAGCACCGATTGGCTGAAGCGAGCACCCC
GGGAGCTGACTGGCTCCGCCATTCGCGGGAAGGCGTTTGTGGTGCCAGAGAAAAGTAGCC
AGAGCGGCGCAGTGGCGGCCGCTTCTGTGGTTTTCCGCTATTCCTCCAGACCCGCACCT
>EP73669 (+) Hs SEMG1; range -499 to 100.

TTTGGATTCCATAACGTTTCATTATCTTCTATATCATTGGACTTCTATGATTGCTCATTC
TTAGGTAAAATAGAACGTGTCTCAAGATCATTTTTAAACAAAAGGAAGTATGGAGTTCT
ATCTAAAATAGAGTATTTAAATTATTGCATCATGAAGGGAACTCACATTTAGAATATAA
AGGCATTCTCAGAAACCAATTGCTTTTGTAGCCTGAAGCCAGTCTCTTTCCTACTTTTGT
CTATAATTCTGTAAAATTAAGTGATCTGGCATGATGATCTAAAAGGACTGATAAAAATT
TGCTGGGGCTGCCAGAAGAAAGAAAATGCCTTTGACATTATGTTGCTGGGGACATTGACT
TTGTCCCACACTCAGCAGGGGTGAGGAAGTTGGCATTACTGATAAGCTAAGAAAAGTCA
GTGCCTTTTGTAAATTAAGCTCCACCCATGGCACACTCACTCAAGGAAGATATAAATGAC
AAGGTCCGCTCAGCTCTCAGACAAGTTTTCCAAGCAAGATGAAGCCCAACATCATCTTT
GTACTTTCCCTGCTCCTCATCTTGGAGAAGCAAGCAGCTGTGATGGGACAAAAGGTGAG
>EP73670 (+) Hs SEMG2; range -499 to 100.

CTTTCTCTTCTGTATCATTCTACTTCTATGACTGCTCCTTCTCGAGTAAAACAGAATGTG
TCTCAGGATTACTTTAAACAAGACAAAGTATAGAGTTATACCTAAAATTTAGTATTTAA
GTTATTGGATCAGAAAGGAACTCGCATTTAGAGTATGAAGGCATTGTCAGCCACCAATT
ACTTTTGTAACTGAAGCTAGTCTCCTTCTACTCCGACTGAATTTCTTCTGTATAATG
CAAGCGATCTGGCATGATGATATACAAAGACCGATAAAATTTTGTGGGGATTCTGAAAG
TAAAAAAAATTGCCTTTGATATTATGTCCCATGCTAAGTCCCTGGGGACTTTGACATTA
TCCCCCACTGAGCAGGGGTGAGGAAGCTGGCATTACTAATAAGCTATGAAAGGGCAGTG
CCTTTTGACATTTGAGCTCCACCCATAGCACACCCACTCAAGGAACATATAAATGAAGAG
ATCCGCTCAGTTCTCAGACAAGATTTTTCAAGCAAGATGAAGTCCATCATCTCTTTGTC
CTTTCCCTGCTCCTTATCTTGGAGAAGCAAGCAGCTGTGATGGGACAAAAGGTGAGTGG
>EP73671 (+) Hs SNRP70; range -499 to 100.

TAGCAGCAGAAGACTTTGCTTTAATCACGTGCTGTACCCCCAAAGCCCAGACAGTGCCTA
GCACACAGAGATGCTCGATGAATAGTTATTGATTGAATAGATTAGACATCAACGCAATC
AGGCTGTTTACCTTAGGGACTCTTTAGCTAGGCGGCGGAGAGGTACGTTACAGTTCTCTACG
CAAAACGCATGCGCGAAAGATCCGGGAAGTGTGATCGGAAAGGGGCGGAGCATCAGGGAG
AGTCTCGCGGACATAGGCGGTTTCGGCGCGGAAAGCGGGAGGTGGAGGGGCGGCTTGGGGC
AAGCGCGCGCGCAGTGCAGAAGCCAGCCCCCGCGGCTGAGGTACTCAAGGTGCCCAA
AGGCGGGGTAGTGACCTCGCGCGTGCCTGTGCCGCGGCAGCGCGGGTCTAGTGTGT
GGGTTGTTGTTGGCACCGCACGGCGGTGCGCAGTGAGGACGGCGGAGGGATTGCGGCC
GGGACCCACCCCTGCTCCAGTCGCTATCGGAGGCCGCGGGTGGCTGAGCAGCGGCCT
GGTGCCTCGCTTAGCGGGGACGGAATCAGACGGACGTGGACGCCCCGGAGTGGAAGC
>EP73672 (+) Hs SNRPB; range -499 to 100.

AGGATGAGGTGGGTGGGAAGGTTACAGGATGGCTAGGGAAATCCTCACTGGGAAAATGTT
ATTTAAGCTTAAACCTTGAAAGAGGTGAGGGCAGCAGCCTTCTGGTATACCTTGGGGACT
ACCATTCCAGGCAGAGGCGAAAGCAATGCAGAGGGGCTGAAAAAGGAGCACGTCCAGCC
AGTGGAGGGAAAAGCAAGAATAGTGACTGTAGAGGAGAGAGCCGGGGAGGGTGATGGGAA
ATGAGGACCGAGAGGTTAATGGGAAAGGCGGGGTGAAGAGAAATGAGTGTGACACAGAGC
AGCTCTCAGTACGGATTTAAGCTAGGAAGGTGTCAAACAGGAACCTAAGGCTCTCCTTA
CGTCAAAGCCGGATGTTAACGCCAGTCCCCAGGCCCCGCTCTGCTCGGCAGAAGCTCC
GCTCCGGGGCCGGAACCTCAGGGCTAGTGAGCTGGACCGGAAGTGGTTTCTACCCGACC
GCATTTTACGTGGTGTCTGATTTCCGGTAGCGGCGGCGGAAATCGGCTGTGGGAGAGAG
GCTAGGCCTCTGAGGAGGCGAATCCGGCGGGTATCAGAGCCATCAGAACCGCCACCATGG
>EP73673 (+) Hs SPARC; range -499 to 100.

GGCCTTGCTTTGTGGCAAATACAACCCCTTGAATTGCTTGGCCCTTCTCAGCATTGCC
TAATATTAGGGAGGACTCCTGTAAGCTCACTGGTTAGAAGATCAAGACACTTGGGCCTG
GTTCTGCCCCTGGGGCCATTGGGTAATTCCTTGCAGTCTCCAGGCCTCACTTGGCCTCT
GAACAAGAAAGAGGCTGTTCTGGGTATCCCTCCAGGCCTGTCCAGCCCTGGCACTCTGT
GAGTCGGTTTAGGCAGCAGCCCCGGAACAGATGAGGCAGGCAGGGTTGGGACGTTTGGTC
AGGACAGCCACCGCAAAAAGAGGAGGAAAGAAATGAAAGACAGAGACAGCTTTGGCTAT
GGGAGAAGGAGGAGGCCGGGGGAAGGAGGAGACAGGAGGAGGAGGGACACGGGGTGGAG
GGGAGATAGACCCAGCCAGAGCTCTGAGTGGTTTCTGTTGCCTGTCTTAAACCCCTC
CACATTCCCGCGGTCTTCAGACTGCCCGGAGAGCGCGCTCTGCCTGCCGCTGCCTGCC
TGCCACTGAGGTATGTGTACCCCCGCCAGCCTTCCCTTCTATAGTTGCACCAACCCC
>EP73674 (+) Hs SRI; range -499 to 100.

ATTTCCATCTTTCAAAGACTCCTTACCCACTGGCACCTAAGGCTTGGCCTAACGCATCC
AGCCCCCTGCCTCGCATGGTGCCTCCGCTTATAATAGCTCCGCTCTGTTCAATAAAGTT

GTTTAAATAAGAAATGTGCCAGATAATAGCCAAGTCCGAAGGAAAAAAAAAAAAAAGA
ATTCCTGGGGTGGTGTATTGGTGTGGAAATGTGCCATTAGTTTTGGAGGAGGAAAGTCC
CTGGTGTGAATTGCCTCGCAGGTCGTAGGCCGCCACTGGACCTTCAGTCGTGCACTGCAT
TAGCGCCGTAATGGCAAAGATACGAAGAAGCGCGCAGGCAGGGGAGCCACGGCCGCGCGC
ACAGGCAAGAGCTGGAGACGACTGCGGAGCGCGTCCCCACGCCGCGTGGTGCGCTCTG
GGGCGGCCCCCTAGCGGCAGGGCGGGGCGGGGAGGGGGCGGAGAGGCCTGGCGCACAGG
GCGAGGGCGGCTGCGGCGCAGTCTGCAGCATGGCGTACCCGGGGCATCCTGGCGCCGGCG
GCGGGTACTACCCAGGCGGGGTAAGTGCTGACTGCGCGGGATCGCGGCCAGGCGGCTCC
>EP73675 (+) Hs SRP14; range -499 to 100.

GGGAGAGTTTTAAAGGATCTCTACAGGAAGTATAATGACAATAATGAAAAGAACAATAGC
TGATACCTACTGAACACGCTCTATGTGCCAGGCACTGTTCTACGTATTTAATCTGAGTTT
CATTTACGCTTCACGACCACACTGCGCGGTAGATACTATCATTACCCTTACTTTATGGAT
AAGGAAACTGAGTCACTGAGTTGTTAGGTTACCTGCCAGCATACAGCTGAATATAAATC
GTACGCTGCTATCAAACTTTCTTTTGCTCTACTCCGTACACTGGCTGGGGTGAGACG
ATTTCTCGCATGTGACGACCCAGGACAGCCCCAGCGCTCCGGGTACAGGCCCCCGGAC
GTCCCAGGGCGGGGCGCTAGGCGGGCGGGGAGGGGGAGGGGCGCAGGCCGGGATTGGTG
GAAGAGAGAGATTGGTGGAAGACAATGGAAGTCTAGTAGCGGAAGTCCCGCCAGCCTA
GGCCGAACCTCCGGCTCTCACTGCTAGGGGCTTAAGCGGAGGGAGTCGAGCCAGCGTCGC
CGCGATGGTGTGTGGAGAGCGAGCAGGTATGGCTAGGCCTGGCCGGCGGAGGGAAGGG
>EP73676 (+) Hs SRP9; range -499 to 100.

CTACGTGTTCTGCCCTTCCTTGCCCTACCTGTTGAGCTTGACCGCTTCTGTGAGTCTCCC
CCCACCCACAAGAGATCCTTCTCTTCGCGCTCCACTAACCCGACATAAATGTTTATCA
TATAAAGTTTTCCGTTGCACTCTTGTTTTATGTCTCCTGGCTTCTTACCAAGCTGTGT
GACAGCTGGGCCCTGTGCGCTCCTTCTCGTATATGCAGCGACTATCGCAGAGCCGCTTA
ATCTTTGTTGAAGGCAGCTGCGGTTGAGCCCTGAGGGCCACGGGACGGACGCCACTCATT
CAGCCCTACCGGGGCGCTGTGGCAGCCGGCATTGGTTGCCGTGCCCTCCGCTTGTCTCG
CTCAGCTCTCGAGCCACACGCCCTGGGCTCCGCCCACTCCCTGACAACATCCCTCCTGCC
CATTGGGCGAGCATGGACGGGGCTGTCCAATGGAGCGAGGCGTTGGTGCGAGGAGGCGCC
GCCATCTTGGGGCTGCTGGGACTCGCGTCGGTTGGCGACTCCCGGACGTAGGTAGTTTGT
TGGGCCGGGTTCTGAGGCCTTGCTTCTCTTTACTTTTCCACTCTAGGCCACGATGCCGCA
>EP73677 (+) Hs STATH; range -499 to 100.

AAAGTCAATAGAAGATGGTAAAAGTATGAGATAAATAATGATTTGAAGAAAACTCTTGA
AGTATATGAAGACTGTAATTTATTATGCCAGTTACCACGAGTTATCAGAGAACATGTAA
AATCTTGATAACATGGTAAGTATTATTTGTGTCATAGAGTTGTTCCACCTTGACACATA
CTTGTTGAAACATCTTTATCACTGCAATTATTTCTATGCCTGGTTTCTCCAGCATGCTT
TTCTGTCTCTGACTCACTCAGCGCTAGACTAACAGTGGGATTAACATGCAGTGGGTACA
GTTGTTTCTGGTTACTTTGTCTTCAATCATCTATTGCAAAATCACTTTGTTACGGTT
ATTTTTATCATTGTAGAGACAGATTTTGGGCATTACTTTTAGTTTCCATAATGTGATCT
CATAATTGCCATTATTTAACAAAAACAATGGGGGACTTCAGAGTGTTTAAATACATTGG
CCCTCTAGGGTAGCACATCATCTTGAAGCTTCACTTCAACTTCACTACTTCTGTAGTC
TCATCTTGAGTAAAAGGTAATATGTTTCATGTATAATCGAATATGTTGTCTTAATCTAGAG
>EP73678 (+) Hs THBS1; range -499 to 100.

GAGGGGCAGGTAAGTTTAAACGAATGGCTCTCTTGGTGTCCCTGCGCCCCGTGCGCCATT
TTTCTTTTTACAAAACGGGCCAGTCTCTAGTATCCACCTCTCGCCATCAACCAGGCATT
CCGGGAGATCAGCTCGCCGAAAGCCCCGCGCCACCCCGCGGGCCCTCTAGGTGGTCT
CCCCAGCCCCGTCCCTTTTCGGGATGCTTGCTGATACCCCCAGCCCCGCGTGGCGCAAGA
GTACGAGCGCCGAGCCCGTGCAGCCAAAGGCTGCGTGGGCGGGCACCAGCTTTTCTGAGA
AGTTCTAGTGCTCCCAAGCCCCGACCCCGCCCCCTTCACTTTCTAGCTGGAAGTTGCG
CGCCAGGCAGCGGGGGGCGGAGAGGAGCCAGACTGGCCCCACCTCCCGCTTCTGTCG
CGGGCCGCCGCTTGGCCCGGAGGAATCCCAAGGAATGCGAGCGCCCCCTTAAAGCGC
GCGGCTCCTCCGCTTGCCAGCCGCTGCGCCCGAGCTGGCCTGCGAGTTCAGGGCTCCTG
TCGCTCTCCAGGAGCAACCTTACTCCGGACGCACAGGCATTCCCCGCGCCCCCTCCAGCC
>EP73679 (+) Hs TNNC1; range -499 to 100.

CTCCTAGCCTCTCCTTGACATTGCACCCCATTCAGAGAGGTTTAGTTAAAGGCGGGG
GTTACCAAGTCAGTCAGATCTTGGGCAAGTCAACCTCCTCCAGAGCCTCAGTTTCCTTA
TCTGGAAGTGAGGTGATGGCAACCCGCCAACCTGGTTGGATGGGAGCCTGAGCTGTTG
TGTTGCACCTTGCTGGGGCCACGACTTTGTAGCTCCTGCTGCACTGGGCTTATGTT
TTCATTCAATCCAGAAACCTTTTCAGAGAGTCCCTTTGGGGAGTGTGGGGGACAGGAGGG
AAAGAAACCTGGTCCTTGTAGCCGTTTCGTCTGCTCCCTGGCCTGGGCAGAGGACGTGGGG
ACTCAGGCCAGCCTGAGTCACTGGGACCAGAGGAGGGGCTGGAGGATACTACACGCAGG
GGTGGGCTGGGCTGGGCTGGGCTGGGCCAGGAATGCAGCGGGGCGAGGGCTATTTAAGTCA
AGGGCCGGCTGGCAACCCAGCAAGCTGTCTGTGAGCCGCCAGCATGGATGACATCTAC
AAGGCTGCGGTGAGGGACAGGGCTGGGTAGGGCTGGGTGGGCGAGGCCACTGGGGGCTC
>EP73680 (+) Hs TNNC2; range -499 to 100.

CCCGGGTTCCCATTTACCATGGTCTCTCTGTGAGGGAGACCCACAGACAGGTCCAATCC

CACAGATGAAGAAATGGCTCAGAGAGGCACTGCTACCGGCCCAAGGTACACAACCTCGCA
GAGGCTGGCCTTGGATCTTGGGTTTTGGACTTCAAGGCTTGTACTCTCCCATTTTACCA
TGCTGCCTCACCTTTACTACTCTGATCATCCTTACCATCTTGGAGCCAGTGTGCTTCT
CGGTGCGGGGACTCCAAGGCAGTGGAACAGGGCAGGCTTCTCACAAGAATCTAGGAC
GTCAAGGCCTGCCACCTGCTTGGAGGCTTAAATTTCTCTGCAAGGGCCCTTGGCTAAATT
AGGTAATGGGTTAGACTGTGGGAGGGTGGGACTCGTGACCCAGGATCTGATTGGGC
AGGGTCTCCAGTGTGGGAGCAGGGAGGTGGGAGGGGAGGGTGCCCTACAAATCCCGG
GGGCTAGAGCAGGCCAGGTATCTTTGGGTGGTGGAGTGCAAAGGAGGCGACCTGCAACA
GAGGAGTCCCGGTACCAAGCAACCATGGTAAGGACAAGAGGGGACTTTGTGCCTTTACTC
>EP73681 (+) Hs BGN; range -499 to 100.

CTGGAGAAACCACTCCTTGCTTAGGCCCAAGCAGGTTCTTGGCAGGCTCAGGACCAAAAT
TCCAGGGGCCACTCATGGGCTAGCAGCCCAAGGCCGCTCCCCCTCGTCTTTCTTCCAT
CTCTCTTCTCTGCTGGCGAGATGCCAGCCAGCACCTCAGTGTCCCATCTGGGCAGT
GGAAAGTTTGACTCTCTGGGTCTTGTGTTGAGTGAGTGCGAGTGTGTCCGTTCTTTGCT
GTCTGCCCCAGGCGGGGAGGGGGGGGAGGTGGTGGGGGCGAGGGGGCGGGGGCTCAGC
TAGTCCAGCGTCTACAAGAAAATTGCTCCCTTTGAAGTGCCAGGGGGGCGGGGAAGCC
TGCCCCCTCTGCTCGCCCTCTCCGCCCCACCAGCCCCCTCTCTCTTTCTCTCTCT
CCCCGCCCTCTCCCCGTGTCCCTCCCCGTGCGCCGCGCTGCCAGCCTTTAGCCTCCC
GCCCCGCGCTCTGTCTCCCTCTCTCCACAACTGCCAGGAGTGAGTAGCTGCTTTCGG
TCCGCGGACACACCGACAGATAGACGTGCGGACGGCCACCACCCAGCCGCCAACT
>EP73682 (+) Hs CEACAM1; range -499 to 100.

CCCTGGACTTGGGTCTCTGTCCCTGGGTTAGAGGCCAGGCTGGTGACACTAGAGACAGAG
GGCTGGTCCCTCCCAAGTCATCCCCAGTGAGCCCTTTCCATCCCCAGAGCCACCTCT
GTCACCTTCTGCTGGGTGTCTTCTACCTTCCCAGCACACTGAAGAGCATGGGGAGACC
TGGCAGCTCACTGTGTTGCAAAGAAAATAATTACCACATTTGGATATGCCAGGGTTCTCT
GTGTGCTGCTGACAGACCCATAGCCAGGACACAATAGAGGTCAAGTGTGGAGAGGGGGGA
TCTCTCTCCCTGATGGGGACAGAGGTCTCATCAGCCTTGATTCTCAAAGTGTGGTCTGG
GAAACCAAAATGTAGACAGAAAGGAAAGAGAAAGTAAGGACAAAGGTAGGAATGAGAGGA
GAGGAAACAGAGCTTCTGGACAAACCCCGCCCCAGCACACATGATCAGACAAAGCTCTG
GGCCCCAGGGAGGAGGCTCAGCACAGAGAGTGGAACACAGCAGAGGTGACAGAGCAGCCG
TGCTCGAAGCGTTCTGGAGCCCAAGCTCTCTCCACAGGTGAAGACAGGGCCAGCAGGA
>EP73683 (+) Hs ACY1; range -499 to 100.

GGAGCCGTTGGAGACTTCCGAGGGGCGAGGGCGCAGGCCAGGGCTTTGCAGCTCTG
CATCTTGAGAGCCTCGGGGCGCCCCCTTTCTCCCGCCCTATCCGGGGGCTGAAGGAGG
AGGCGCCCTTAGGGGACGGGACCGTCTGAGCTCCCGGCGCATACCTGGGGGCGAGGAGTG
GCAGGCGTGTGCTGTGGGGCGGGGCGAGCCTGTGAGAGCAGGGCCAGCCCGGAGCTCGCA
ACTCGCGGGGCGGCGTGGCCGCGGCGGCGCTGCCGGGGACGGGATCCGGATCTAATC
CTCCAGTAATCTGCTGAGGCCCCAACCAGAGGCGGGCGGGGACATCCGCGCGACGCGG
CCGCTGGCGCCGGGACGGCCCTACTGACGGTCTTCGGTCTCCGCCCCGACATCCGGCCT
CGGCCACGTGGTGGGCGGACGGGGCGGTCTGAGCCTGCGACCTCGCAGGCGACCTCGC
TGGACCCTAAGTCCAGGCCACAGTCAGGGAAGGGCGCTGAGAGGCGAGCGTGAGCCCAGC
GACAGGAGAGTGAGGTGGGGGCCCTGGGGAGGGATAGAGGGACTGGGGTCCGTGGCTTG
>EP73684 (+) Hs EPHX2; range -499 to 100.

CCCCAACACGGTCTTATGTTCTGAATGTAGAAGTCACTGGATGTGCTGACACACACAC
ACACACACACACACACACACACACACACACACACACACAGAGTCTGTGGCCTCTTT
CCCAGGCATTCCAAGTCCAGCAAGTTCGAGGGAGCTGTGAGTCCGTCCAGGAAGGCCCG
GGCCTGGGTTTGCTCTTCAAGCAGTACTGCAGGGGCGTGGGGAGGGGGCATAAGAGAC
TTTGGACTTTCTTTGAGACAGTAGAAAGCGTTACATCCAGAGGCGAGATTCTAGCCTGG
GGTCCCCGCTTCCCGGCTCTCTTCTCTCTCTCTGACTCCCTTTCTGTGCCCTCC
CCCTGCTCTTTCCCGGCCAGAGTCCAGCCTTAACCCGGGCAGAGGGCGGAGTCCCGTTA
AGGGGGTGTGGGGAGGAGGCGGGGCCAGGGCAGGGGCGGGGCGAGCCGGGCCAAGCTGG
GCGGGTCATGCGCCCTGGCCTTCGCGCATCTCCAGGTTAGCTGCGTGTCCGGGTGCTAG
GCTGCAGACCCGCCCATGACGCTGCGCGCGGCGTCTTCGACCTTGACGGGTGCTGG
>EP73685 (+) Hs TM4SF6; range -499 to 100.

ATGTATTGCTTTGCAATCCGCTTTCTTTTGGCAAATATATTTCTTGTGGGTATTTTCCCA
TGATTTTTCTTAGGTGCTTTTAACTCTTCACTTTCTTTCTCTCTAGGGCACCAGG
GGCCAGGGAGGCCCAATCTCAGAGCGTGCGGGCTCTGCTGGTGATAGAAACAATATGGT
GAAGTTATAAGGAGAGGGGAGGGGTGGGGGCGGGGAAAGATTCTTAGGATAGAAAAAAA
ACAATGAAGAAAGCTCCACTTGAAGACCTATGAAATTTCCGACACTAGAACCTTTGTATA
TAGTTTTCGGTAACCTTCGGCAGGGGGCGCTCTGAAATTGTTGCCACTTTCCGGACAGCC
TCCCATACTTTACCCTCTACAAAATTGTACAGTGTTCGGGCCCTTCTCAGTTGTGGACG
CTCGTAAGTTTTCGGCAGTTTCCGGGGAGACTCGGGGACTCCGCGTCTCGCTCTCTGTGT
TCCAATCGCCCGGTGCGGTGGTGAGGGTCTCGGGTAGTCATGGCGTCCCGTCTCGGA
GACTGCAGACTAAACAGTCATTACTTGTTCAGAGCGTTCTGCTAATCTACACTTTTA
>EP73686 (+) Hs TPT1; range -499 to 100.

ATCTACCCAGGCCAGAGGGCTGACCCTCCCTAAATGCGACGTTCTCCTACCTTGGTTG
ATACTCACGTTCCAGAAAAAGGGTGGAACCTAGGCTGGACGAGGCGCAGGGCCAAAGTTT
AATTCTCTAAGCTCCACCCAGCTCCCAGCACCTCTCCAGGCGGCCCCGTGGGGTAGGGC
GGAGCCGGGTCCAACGTACTCCGCTTCCCCGCTCCACCCACCCAGGGCTAGGGAGCGCC
CCGAGAGTTGGCTCTCCACGCTGCGCGCGCACCTCCCCGCCCCACCCCTACCCGCT
GGCGTGCCAGTGGAACGGAGCCTTGTGTCTCCGCTCAAGTCCCCGGATGCTCACCTCC
CCGACTCGCCCCGCTGTGGCCCCGCCCCGCGGGCTTTCGTGCCACGTACCCGCTG
CGTCGCTTCCGAGGCGCAGCGGGCGATGACGTAGAGGGACGTGCCCTCTATATGAGGTT
GGGGAGCGGGTGAGTCGGCCTTTTCGCCCCGCTCCCCCTCCCCCGAGCGCCGCTCCGG
CTGCACCGCGCTCGCTCCGAGTTTCAGGCTCGTGCTAAGCTAGCGCCGTCGTCTCTCC
>EP73687 (+) Hs UBE2D1; range -499 to 100.

AGAGACACCTTTTTCTCTGCAATAAGAACCAAGGAGGTAAGTAGGGGTCTGATATGAG
TTTGTGCATGTGTGAGGGTGAGTGAGACAATCCATATATTTGAGAAAAGACAGTGAAT
CTTTAAAGGTAAAAATAATAAAACAGCTGTGGCACCTATTGGATAAGGAATTACTAAT
GATGATTTAGAAATTCCTTATGTGCGTTAGGAGCTCATTTGTTATCCCCATTTTACAGA
TGCGCAGCCCCAGGTTCAAGCAATTTGCTCTAAATGAGACTGTAGAGGCTAATTCAGCCC
CCGGCAGCTCTACCTTAAAGTGCCTGGCTGAGGTGAGGTGAGTAACTTACCTGGCAGCGTC
CGGGGGCTGACAGCCGAGGACGGGCTGGAACCTACACTTCCAGTGTGCCAGGCGGGGCG
GGGCGCGGGGGAGGGCGCAGGCTCCTTCCAGAAAGCAAAAGCGAAACAAAAGAGTCT
CGCCGGCGTCCCCGCGCACACTCGCGCACACTCGCGCTCGGGCGCACACGGAGCAGGG
ACCGGCGCCCGAGCGAGCCAGGAGCGGCTAACCGGGACCCACCGCGCGGAGCCAGCC
>EP73688 (+) Hs UBE2D3; range -499 to 100.

GAAAAGCGCACAAAAGTCTTAAAGTCATTGACAGCTACCGCTTCGGTTAGCCAGCCA
CGAAGTTCTCGCGAGAGTCGTCTCTCGATACCAAGTGAGGAACTGGGGGACGCTGTGG
GGAGGGGCGTGGGGCTGGATCGCGCAGCGGCTGCTTCTTTACCTTCTCCCATGGTCTC
CTCCGGTTCTCGATGCTTCTGTAGCCTAAGGGTTTCCGCCACTCGTTCACCTCCCC
CAGCTCATGATCTTCTCCCTCCCCCGCCCTCCTGGTCCAATCTCCGATCTGTTTAGTAA
GAAGGTGCTGTTCCGAGAAGGAGAAGGAAAAGGGCTTGACACGTATTCACCTCGGCCCGG
ACGTGGGAAGCAAGCGTCTGGCTTCGGCTCACATCGGTCCTGTGCTCGGGACGGCGGC
GTTGGCGGACTGATCCGCGCGGTGAAGAGGCAGGAGGAGGGGAGGGGCGGAGCGTGGC
AGCTGGCAGTAGTTCGTCAGAGCGGACATCTTGCGTGTGTCGTGCGCGTGAGCCCCG
TAGGGCCGGGAGGCACAGCTGCCGCGGGGAGGAGCCGAGGCCGAGCTTGAGGGA
>EP73689 (+) Hs UBE2L3; range -499 to 100.

CACTGCAACCTCTGCCTCCCGGGTCAAGCGATTCTCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCA
GAGATTACAGGCGCCCGCCACACGCTGGCTAATTTTTGTATTTTTAGTAGAGACCGA
GTTTCACCACGTTGGCCAGGCTGGTCTCGAACTCGTGACCGCGTGATCCACCCGCTCGG
TCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCCCGCGCTGGTCAACTATTTTATGCA
ATCAGTATTTATTATGCTCTACTATGTGCCAGGCACTGGTTGTAAGTCCATCTGATTG
GACGATCCGTAAACGCTGAGGCCAGTCTGTGCGGTTCACTTGCGTCTCCACGCGCCC
CCCAGCACAGTGGGAAGCACACAGTAGGTGCTCGCTCTGCTCCTGTGCCCCGCCCCGCG
GCCCTCCCCGCTCCAGGAAGTGCGGGGGCTCCAGCCGCCGGCCGCGCGATGCATT
CTGGGGAAGGAGCAGCACCAATCCAAGATGGCGGCCAGCAGGAGGCTGATGAAGGTAAA
AGCCATTCTCTGGCAGCGGCCGGGCGTGGGGCGGCGTCTAGGCTCCGGATCCCCGAGGC
>EP73690 (+) Hs UBE2N; range -499 to 100.

GAGCAAGACGATGAGCCCCACCTCAGTCGTTCACTGCAGAGCCAGCAGGGAACGCGCGCA
ATGCAGGCTGAGCTGAAAGAACGAACGCGTGAGCTGAAAGAACGAACGCGTGAATGAATG
AATGGGATACGTCGTAGGCCAGGCTCTGTTACGTCGTCCACCGCGCGGGCGTGGCCAC
GGTTAAGAGAGACGCGCGCAGTCGCGCGCGGGTGTGCCGTACCACGTCGCGGGCAG
GCTCGGCCACGAGCGCCAGAGCCCCGCGCTCCCCGCGGCTGTCCCAAGTCCCTGCC
CCGCAACAGAGCGTCACTTCGCCATCCCCGCGAGCGGTTGGGGCGGGGCGCACGGGGGA
GGGGGCCAGGTCGGAGGGAAGCCCGCCGTCGCCGAGCCGCGCCGAGCAGGGACTACA
TTTCCCGAGGGGCTCGGCGCGGCTGCGGCGACGGGCGCGGAACGTCCCCGGAAGTG
GAGCCCGGACTTCACTCGTGCGTGAGGCGAGAGGAGCCGAGACGAGACCAGAGGCCG
AACTCGGGTTCTGACAAGATGGCCGGGCTGCCCCGAGGATCATCAAGGTAACCGCCAG
>EP73691 (+) Hs LDHB; range -499 to 100.

ATACAAAAAATTAGCCGGGCGAGGTGGCGGGCGCTGTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCT
GAGGCAGGAGAAATGTCGTGAGCCGGGAGGCGGAGCTTGAGTGAGCCGAGATCGCGCCA
CTGCACTCCAGCTTGGGCGACAGAGTGAGACTCCGTCTCAAAATAAAAAAAGAAGGAAA
GAAATTTATTTCTATTTGTACTAAATCTAATAGAACAGAGCGTTAAAGTCCAGAAGAGT
CGGGGATGGGCAAGTTTTATAAATAACTTGGCCTCCGCATTGAAGAGCCTGCGAGATGTG
AGACCAGCTGAGAGCGGAAGCCTCTGGAAGGAGACCTCCTCATCTGGAGGGTGGGGGAGG
GAGTGTGCATACTTGAGCCCTTGTCTTGAAGGGGATTGAGCGAGCCGAGGGGAGGGGTA
GGCGGTACTCGGATTTCCAATCACAATGGAGAAACCTAAGAGGCTGCGGTGGTTGTGGGG
CCCCGCCCCCTCCTCCTCTTGAGAGCCGCGCGGAGGAGACGCACGCAGCTGACTT
TGCTTCTCCGACGACTGTTACAGAGGTTCCAGAGCCTTCTCTCTCTGGTAGGTTTC

>EP73692 (+) Hs LGALS3; range -499 to 100.

ATAATGTGAATTTCTGTGTTAAAGAGTTGTCTGATTAATTGCTTTATAAG
GGAATTGCTTTGAGACTAGGCCTATTGATCTAGAATAAGTAGTCAATTTGTAGTCAGTTC
CCTAGGGAATAGACATTGAAAAGATTTTGGTTTTGTATTCTACAAATAAAGCAACCTAT
TAATTGAATTCCTCTCAGCGAATTCTTCACTCAGGTGATTCTGGAGAGGGCGGGGACAG
ACGCGGCCGAGCCAGGTCCCGGAGCGCCACGGAACCTAACGGTGGCAGCGGAGGTCTG
CGCCCTCAGTGCCCGCTCTCCCGTGGGAGCTTCTGGTGGCCCTGCGGCGGGC
CTCGGGGTGTCTGGCCGGCGGGGCTCGCCAGCCTGGTCCGGGAGAGGACTGGTGG
GCAGGGGCGCCCGCCGCTCGGAGAGGCGGGCGGGCGGGGCTGGGAGTATTTGAGGC
TCGGAGCCACCGCCCGCGCGCCGAGCACCTCTCGCCAGCAGCCGTCCGGAGCCA
GCCAACGAGCGGTGAGCTGCGCGGGGCGCGGGGACGCGGCTCCGGCCGGCAGGGGAGA

>EP73693 (+) Hs LRPAP1; range -499 to 100.

CTCCGCGGAGGGCAGAAGCGGGCTGGGCCAGGCTCCTCAGCGCCAGGCCCGGGCCGAGT
GCCAACCCCGCAACGGCACTGGACATGCAAGAGTCGGCGTCAGTGCAGTGAAGCCGGAG
CATTATCAGGCTCAGCCAAACGCGGCCCGTTCTTGGGCTTTCCGCTCTTTCTGTGGGGC
AGAGAGGGAAAGAGGCTCGAGTCGTGCGGGCTCCAGGCTCCGGGCTCTGGGTGAGGCCT
GATCCCTGCTCCACCCCGCCACCTCATTCTCCAGTTGTATCCCTGCCAGAGTCTGCA
GCCTCGGGCCGCGGCTGGTTGCTTGGGAAACGCTTGCCTGCGCAGGGCTTCTAGGC
GCTGGAGTCCGCGCGGGCTCGCGCTGCGGCGCTCACGGAGGAACATAATTCCCA
GGAGACCGCGCGGTGGTGGGGCGGGTAGTGGGCGGGCATCGGCAGGCTAGGTTTTT
TCCGCGCAGCGCAGTCGAGAGGAAGATGGCGCCGCGGAGGGTCAGGTCGTTTCTGCGC
GGGCTCCCGGCTGCTACTGCTGCTCTTCTCGGGCCCTGGCCGCTGCGAGCCAC

>EP73694 (+) Hs NASP; range -499 to 100.

AGTTGTTGCTGAGGCCTAGATCTCACCCAGATCAGTTCTAGTCGCTGCTGTTGTACCCG
TCCTCGGCCCTTGCCTGTCCGTCCGTTACGACTCAGAGGACGGAGAGAAAGTCTAAGTCA
CCTTCCTCAGTATCCAGGCCGGAAGGAGACTCTCAGCTACTCGCCCTGAACATGCAGAGC
AGCACTGGCTTCCCTGTCTCTGGATGCCGAGGGGCGTCTGTGAGGAGTTGTAGTGTCA
AGATTCCAGTTCTTCTATGCGACTTGCTGGAGAAGCAGGAAGTTGCTGTTTATTGGAGA
AGTCGGGCTAGGGAGGGAAACAATCCGCGGAGCCATATGGAGAGGGCAGGAGGTGTCTA
GATAGTGGTAGGCCGGCGGGGACGGAGGGTATGGTGGTGAGTCTTGCCCTTTAAACC
CGAGGGGGAGGATCCGGAAGTGGATGGGCGGGGCGAAGGGTCTCGTATATAAAGGGCC
CCGGCCGCGCGGGGTCTCTAATCTGCCATTTCTGTCCCTGAGTGAGTCTCTGGCGTCCC
AAATTGCTGTTTTCTCGCAGGCTCTATTCCGTTGCTGTTCCGCCACCTCAGGGGAAC

>EP73695 (+) Hs NME2; range -499 to 100.

CGAGGCCCTTGGGAGGCCGAGGCTTAACCAAGGGCTCAAGCAGAGGGGAGGGAAGGCTGG
ATTTAGAGGTAGGGAGGATAAGGACCGTGGGTGCACGACGGGAGGGAGAGCAAGTCA
AGGTAAATGCCGGTGTCTGGGCGGATGGTGAAAGCAGCAGATGGCCTTGACCGGGGTAGA
GAACTCGAGCACAGGAGCAGTTCTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTAGGAGCT
TTTGGGGTACGCGGAAGTACTGAGAGGTGAGGAGTGGGATTTGGGACGTGCGTAGTTGAA
CTCATAGGACGTCCAGGTGGAGAAGGAATCACTTCTGTCTCTGGATCCGTCTCGATCTC
TGCTTGGCGAGGGCGCGCCCGGCTGGGCGTGGACACTGTTCTCGGCCGCGTCGGGCCG
GGCGGGTGGGGCGTTCTGCGGGTGGGCGGCTGGGCCCTCCGGGGTGTGGCCACCCCGC
GCTCCGCCCTGCGCCCTCTCCGCCGCGGCTCCCGGGTGTGGTGGTGCACACAGCTCT
CTGCTCTCCAGCGCAGCGCCGCGCCCGCCCGCCCTCCAGCTTCCGGTAAGGCGGTGGGG

>EP73696 (+) Hs OMG; range -499 to 100.

AAGCTGATTAACATAATAATCACCATGTTGGGGGAAGACATAAAAGTCATAAAACAGAT
TTTTTATAATATTAAGGAGTACATGAAAATTATACAAATTTAGAAAGGAATATAAAAA
GGCAGGAGTTAAAAATAGTGGGACTAATATCATAGAAAATATCCATGAGGAAGGTCAA
ATTTATTTCAACATGTAAAAAGGATAAAGAGTAGAGGTATTTTAAAAATTCACAGATTC
TTAATGAGGCAAAATGTTAAAAATATGGAACCAATCTCAGACAAATACATAGAAAGGAGTA
AGGGCCAACCTCTCATGCATAAAGTATCCCATCTATAGCAAATCAGATATATAGGTACGC
TTGATGCCACAAATTTTTTAAAAAATTGTCCATTTTGTGCGTGTGCACCTCTTGCCATA
AATTTGAGTCAGCACCAGCGACAGCTCTGCAGTCTCTATGTGGTACTGATCAGGTGGT
TGCAGAGCTTCAGTACAGCAACAATGCAGCTGAGCAGGCAAGCACAGCCCACAGCCAG
AAACAGTTCCGACTCTACAGAACAAGACGACCTTTAAGTTTCCAGAGAAAATGAGATGC

>EP73697 (+) Hs PRDX1; range -499 to 100.

TGTAATTAAGAGAACAATGAAGGAAGCTATCTAAGCCATGAGGGTACTGAGGATCTGC
GCTGGGGTTAAGGCTGCGAATTAAGAAATATTTGGATAGACAGTTCTCATGGCTTGGTG
TGGTTAGACGTGGTCTCCGTGGGACGAGCTAAGACGCTTACTCCAGTTTGGGCATTGA
GGGCACAGTGCCTAGTGGTCTGGAAGTAAAGAGAATCCTGGTTTTCCGAGAGATCTAG
GATTAACCTAAGCGTTCGGGTTCCGGAGCGGCCACAAGGGCGCCTCACTCCAACCTCAGC
CATCCGCAACAGGGTGGGGTATTAGTATTTTCCGACCCGCCCCAACGAGGGAAAGCGC
CGAGTCATTCGGCGGGGCGCGCCGGGCGGGGCTCGGGCCACATCCCCCTCTCTCTC
CTCCTCCGGCACCCCGTCCGTTCCGACTCTCGCGAGATCCCTACTGGCTATAAAGGCAG
CGCCCCGAGAGCTCTTGCGCTCTTGTCTTGCCTGGTGTGCGGTGGTTAGTTTCTGCGA

CTTGTGTTGGGACTGGTGAGTGTGGGCAGTGC GGCCCTGCGGAGTGAGGCGCGGCGCGC
>EP73698 (+) Hs PBP; range -499 to 100.

CGGGGTCTTGCTACCTTGTCAGGATGGTCTCAAACCTCTGGGCTCAAGCGATCTTCCTG
CTTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGAATACAGGCATGAGCCACCGGACAGGCCATGTTGCT
GAATTTGGAAAGTGAGCAAAGAATCATGAAAAAATTAAGAAAACAAAACGCAACCAA
GGCGAATTCAATTGCATTTTTTTTTCCAGCGACACTTTCTGAGACACGAACCTCTCTCT
TCGGCGAACCTATTCCAGGGCGCCCTTCATTTTCATTTCTTGAAACAACAGCCTTGCAAG
CCGAGCCGCTGTTCCCGAGAACTCGGCAGCCACAGGGAGCAGGTTGCATGGACCCAGGAG
CGCGAGAGGCCCTGCTCTGCCAGCTTCGGCCAATCAGAGGCCAGGGAGCGGTGGGCGTGA
CGTGGGGCGGTGCGCGGGGCTGGGCGGCGGCTGAGGCGCGTGCTCTCGCGTGGTCGCTGG
GTCTGCGTCTTCCCGAGCCAGTGTGCTGAGCTCTCCGCGTCGCGCTCTGTGCCCCGCGCT
GGCCTACCGCGCACTCCCGGCTGCACGCTCTGCTTGGCCTCGCCATGCCGTTGGACCTC
>EP73699 (+) Hs PFN2; range -499 to 100.

TCTCCGCCGGCCGAGGTCCGAAGCTCGGCCCCGCCACCGCTCCCGGCCGGCGCTCCCCG
ACGTGGCGGGCCGTGATTGTCCCGGGGCGGTATCCCTCCGCGCCCCCGCTCAGTCTCCCC
CCGCCCTTCCCGGGACCTCCGTGCCCGGGCGCGCGGAAGGATCGCACGCACGCGCGCG
CGCACGCCAGCCGTGTCGCGGAGGAGGCGCTGCGGTAAGGAGCAGCCGCCACA
GGCACAGCCGCTTCGTCAGCCTCCCGCGCTGGTTTGTACGCCCCGCGGCTGCGGGCGGCC
GGGCGGCCGAGCGCGCTCTGAGGTTCTGTCCTCATCGCTGAACCCGCGTCTCCCGCGCG
AGCTCCTCGGGGAGGGGGGCGGTGCGTGCCTGCGCAGAGCCGCTCTCCCCGCCCGCGC
CCCGCCTCCCCCGCGCGCGCGCGCGCTACCGCGCGCGCGCGCTGCGCTGTGCTGC
TCCTGCGCGTCCGCGCTGCAAGGGCTCGAAGATGGCCGTTGGCAGAGCTACGT
GGATAACCTGATGTGCGATGGCTGCTGCCAGGAGGCCGCTTGTGCGCTACTGCGACGC
>EP73700 (+) Hs PGM1; range -499 to 100.

CAAGTGTGTGGTGCAGCAGGAAACATTTGGAGTCGACTCCTTTACGGAACCAAATGCC
TCACATTTAGGGAGAAATAGAAAGAATTACGACTCATGAAATCAGAGTGGGGCTGGCACT
TCTGACCCTCCCAACAGGTTTCCAGAAAGCTATTTACACACGATGCATTGCGCAAACCAC
TGGAAATCATTTACCTGTACTTTTTTCCACCCTGCCTCACGTCTTGCCCTATGACCG
GGTTCTACCCCAACCTCTGCCCCAACCTTAGAGGAGGAGTTGCGGGCTCTTTTTACA
GTGGATAGGATTCCGAAGGGGAGAGTAAATCAGTAAGGTCCACCCATTTACAGGAGGC
CTAGAGACCGCGCTCCCTTTCCCTCCCGCGGACCTGCCAGGAGGTGGGCTGGCGCG
GAGGGAGGGCCCTGTCCCTGTCCCTTTAAGGAGGAGGGCCAAACGCCGCGCTAGAGTGC
GGCGTAGCCCCACCCGCGTGCCTCACCCAGAGCAGCTGCAGCCTCAGCCGGCCGCC
CTCCGCCAGCCAAGTCCGCGCTGTGACCCCGGCAGCAAGTCGCCACCATGGTGAAGA
>EP73701 (+) Hs PIP; range -499 to 100.

TAGGGAAGTCTGATCATCTAGCCCTCAAGAAATGTTTTGAATAGCATTGCATCTTGA
ACTCACTATAATTTGATCAAGCAAAGATGTTCTATGTCTCTGGTCTGAAACCTGCCACCA
CAGCTGTGTTCTCTGCTTTCAGAGACCAGGGGAGCAGTGACTGAAGCTAAGACTACACAT
AGCACTTCAGACAGGCAAATAGGAGGGAAAAGAAAAGTGAATCTGTAAACTCGGGAAAA
ACTGGTGATCTTTTGAAGTCCAGCCATTTTGAAGAACTCTGATGCTGAAAAAATAAGG
AAGAACAATCTGACTCCTCTCTCAAACGCTGACATTCTAGCTGAGTGTGATTTTTTCTT
AGAAAAACAACTTTGGGTCAACAAGGAAAGATCACGAGTGGGGAGGGTGAATGGGTGAT
TCACCTCATGGATCTCCCTGGCAGCTCTTGCACTTCCTTGATCAATCTGTATATAAGAAA
TGTGCTGGGCACCTGGGACACCACTTCTCTGGGACACATTGCCTTCTGTTTTCTCCAGCA
TGCGCTTGCTCCAGCTCCTGTTCAAGGGCAGCCCTGCCACCCTGCTCTGTTCTCTGCC
>EP73702 (+) Hs POU2F1; range -499 to 100.

GTTTCTGGCCGCTGCGCTCCTTGCCGTGCTTTACAATGCCACAGGCCACTGGGGGAGAC
CGGAGCGAAGCCAGGAGGGAAGCAAGGCGGGAGGAAAAGGGAGAAGTGAAGAAGACACA
GGCGCCCGGGATACTATATAATCTGGTTCTGAGCTAGAGGGAGCGCATGCGCCGGCGACA
CTTCTGGCGGCAAGGAGAAAGGCGCGCATGCGCAGAGCCGAGACGAAAAATGAAGCCACAG
GGTGCCTGGCTGATTGAGGGCGCTGCTTTAGCTACCGAAGGGCCACAGCGCCCCGAAGGC
GCGTGCGCAGAGCGCGGAAGGGGGTGGAGCTCTTCTGAGGGGGCGGGGCGAACAGAGC
CGGCCTCGCGCGCCCCCTGGCGCGCGCCCGGGGAGAGGAAGGAGCGGGAGGGGGCGGAGA
GGAGGGAGGAGGCAAGCAGGGCGGGAGGGGGAGGGGAGCCAGAGCGAGGGAGGGTTTAT
CGACCGGGCGATTTTGGTTAAAAATTTCAAAATGGCGGACGGAGGAGCAGCGAGTCAAGA
TGAGAGTTTACCGCGGCGGCGAGCAGCAGGTAATCATTACAGCATTTTACATATTCA
>EP73703 (+) Hs PPP2CA; range -499 to 100.

CACGATTACAGAGCCGAGCACCCAGATGAGCCACGGGTCGCAATTCTCGTTTCCGTG
ATCGGACTGCCAGGCCCCAGGTGAGGAGCTGAGTTTCATACCCAGAGCGGCCTTCCAGGG
GAACCAAGTTACAGGCTGCCAGTGCCCCGGCTTCCATCCGGTCTGCGCTGCGCGCGGCC
CAAGCCCTCGCTCTCCTGGAATAGTGCTCAGGGATTAGTCCGGTTCCCGCTGTGCGCA
CTGCGCATGTCCAGCTCCATCTTCCCTTCCCCACCAACCCCGCCCTCCGGGAGCCACG
CCCCAAAAGTCAAGGCGCTTCAAGTACCAGCCGGCTACGTGCGCCTGCGCTTTGACCCC
CAGTTTGCGCCCAACTCCGGTCTGCGGCCGCGCGGGGAGGGCTCTGCAGTTGCGCAGC
TTGCTCCCCGGCCCTTTCCCTCCGCTCCCCGCGCCTCTGACGCCGGGCGTGACGTC

ACCACGCCCCGGCGGCCGATTACAGAGAGCCGAGCTCTGGAGCCTCAGCGAGCGGAGGA
GGAGGCGCAGCGGCCGACGGCCGAGTACTGCGGTGAGAGCCAGCGGGCCAGCGCCAGCCT
>EP73704 (+) Hs PRG1; range -499 to 100.

TTCTTGAAGGTTAGAGCTCAGCTTTGAAGTTTCACTTCACGAGCTTGGCTCAGTGAGGTA
TGTTACTCCCCGGTGAAAAAGAAAATGAAGAGAATGTTTTATGTTGAAAGTGCTTGGTGA
CGAAAAGGCAGCACCTAGATCCCTTATCTCATAAAAAATGCAGCAGATTCTTAATATTAG
CAATCTAGTGTTTAGATTGTTACCTGAAGAAAGGAAAAACAACTGTCCCAAATGCTGAT
TCTACTGTTTCGGTGGGAAAAAAAATGTCTTGCAAGGCAAGTGGCAAACAACAAAATTT
TGAAAAAGCAGGCCTGGGGGGAGTCCAGTACAGTTTCATAATGGGTATGAATAGTTATTT
TACTGTGTTCCCCCACCCCTTTCTTTCTGGGTTTTGATGTGGATGTCTTTCTATTTGT
TCAGGAAATTGTGACGTGTGTCTGGGCAGGGTTTGAGGTTTTGGAACATTTCTAAAAAG
GGACAGAGAGCACCTGCTACATTTCTAATCAAGAAGTTGGCGTGCAGCTGGGAGAGCT
AGACTAAGTTGGTCATGATGCAGAAGCTACTCAAATGCAGTCGGCTTGTCTGGCTCTTG
>EP73705 (+) Hs PRKAR1A; range -499 to 100.

GACGCCCCACGTGGGTGCGCCAGGGAGGGGGTGGAAGGAGGGAGAAAAGGCAGAGGCGT
CAAGGGAGGCCGGAGGGAGAGTGGGGTGGACAGAGGAGCGGAGGGACGAGAGGGAAGCGC
ACGATAGTGC CGGAGAGAGAGCGAAGAGCAGGCGGAGGAACAAAGGCGACCCAAGACA
CCCAGAGAGGGACAGGTAAGGAGGGGCGAGGTGAGCAGGAAGGAGGAGAGAACC GGGCTAG
GGAGACTGCGGAAAGGAGAAGTGGCGGGCGTGAGGAACTGCTGTGGATAAGGGACGAGT
AAGATGGAAGAATGGCGGAAGACGAACGACCGCAGAGTGAGGGTCCTTCCAAGAGCGAC
CAGGGGGGAGGAACTGGGGCTGTTGCGCCCTTAAGGTTGCTAAGGCGACGTTCTGGCCA
GAGCGAGGCGCATTGACGTCAGTAGCCGAACGCTGATTGGCTGCGGCCAGGCCGTTTCCG
GTGGAGCTGTCGCTAGCCGCTATCGCAGAGTGGAGCGGGGCTGGGAGCAAAGCGCTGAG
GGAGCTCGGTACGCCGCCGCTCGCACCCGACGCTCGCGCCCCGCCGCCCGCTCCCA
>EP73706 (+) Hs BPGM; range -499 to 100.

CTTAAGACTTTCAACCACGAGTAATTTGTGCGAAAGGAGCTTCTTCTGGGAGGATACCTC
GGCTTCGTCTTCAGGTTTCAATCCCTAAATTTCCCATAGTAAAAGAAACATCACCTCCT
CTCTTCCAAGAGTCCGCTGACACCTGTCTTCAACCGCAGGTGTTTCTTTAAGACGTTAA
ACGCTTTCTAGAACCTCAAACAGCTAAGATGCTCCCCGACCCGAGGTTTTGCACCAGCG
ACGCTCTAGGGTGTGTTTTTCTACTTCCCTAGGCCCAAGCCTGCCCGCTGGCGTCAAGC
CAACTCCTTACTGGTTCAGGTATGTGCTCGTCTCTAGAGTAAACCAATCAGAGCCCCACT
TCTTACTCCTGGGATTTGGTAAACGGAAGAGACCTCTCCTGTTCCGGGAGTAGGCCGGGA
CCGTGGATGAGTGACAGTTGCAATTTCCAATAGGCAGAGCCCTAGGACCTGCCACGCTCT
GGTTTCAGGGGCTAGAAAAGAGCGTCGATGCCGGCGGAGTGATGAGTCTAGGAGGCGCT
GGCTCTTTGGCGGCTCGGAGGAGCGGCTGTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGGTGGCCCTT
>EP73707 (+) Hs C1S; range -499 to 100.

GTGGGGTAGAATTTGATGTTTGAAGGGATGTGGAGGGATGTTATGAAGAGGAAGCCTC
ACGCCATACCACCTTGGGTCTTGGTGTTAAGTCATTATCAACCATTACATTTGCTTTAAA
GCAGAGATGACTTACATTTCTGATACTACTTTCCCTTAATTATGATTACACACATTT
GGAGGGCTGGACTTTCTGGGTTTGGTTATTTCCCTGGTACCAATCCCCGCTTTTCCCA
GAAATCACTTGACTTTCCGAAAACCTCAGAAACACACCCTTTGGCTGAAAAATAGCATT
AGCAATCGGTGAAATTTCCCATTCCTCCTTTCCCCGCTGGAGCCCTGGATAGAGGGCTCT
CTGGCCTGGGAGGAGGACGCTGTCTTGTTCAAAAGCAGAGGGAGCTCCAAGATCAAGG
CTGAGTTTCCCTAAGTCATGGTCTCCAGCCCCCTCTGTTTAGATCAGGGAATTTAGAC
ATGCACACTCGGGTAGGGAATCTTATGAACAGAACCAGGACAGGGAGGCTGGCCGGAGGT
TCCTGCAGAGGGAGCGTCAAGGCCCTGTGCTGCTGTCCCTGGGGGCCAGAGGGGTTGCC
>EP73708 (+) Hs ACTA2; range -499 to 100.

CTCCCTCTATGTATTTATAGACGACTGAAGGAATATCTTTCTTTGCTGCTACCGTG
GTAGAAGGGTTTTAAAAGTCCGTGCTAGGCAGAGGCAGCCCTTTCTGCCCTTTCTGTTC
TCAGTTTATTAGGAAATGGCCTGAAATTCAGCATGATAGCAAGCTGGCATCCTCTGTGG
AATGTGCAAACCATGCCTGCATCTGCCATTACCCTAGCTCAGTGTCTCTGGGCATTTCT
GCAGTTGTTCTGAAGGCTTGGCGTGTATCTCCACAGGCGGCTGAACCGCCTCCCGTT
TCATGAGCAGACCAGTGGAATGCAGTGGAAGAGACCCAGGCCTCCGGCCACCCAGATTAG
AGAGTTTTGTGCTGAGGTCCCTATATGGTTGTGTTAGACTGAACGACAGGCTCAAGTCTG
TCTTTGCTCCTGTGTTGGGAAGCAAGTGGGAGGAGAGCAGGCCAAGGGGCTATATAACCC
TTCAGCTTTAGCTTCCCTGAACACCACCCAGTGTGGAGCAGCCAGCCAAGCACTGTCA
GGGTAAGTGGCGCCAGGCCAAGGATGTGACTTATAGATTCCAGTGGCTCTTTAATTACC
>EP73709 (+) Hs FKBP3; range -499 to 100.

GGAAGGGGATGGGCAGTTTGATTTAAGTTTCGGTTGTGTGATCTTTAAAAGGGAATGG
TGGGATATGGGTTTTCGGATCGACAAGGACTGAAGCACTTCAGGTGTGACTTTTTAGGCT
AGAACTAGATAAAACGAGATAAGGAGCCTGAATGCTGTTTTCTTTAAGAGTTATAGAC
TGGACTTTAAGGCATAGCTGCCTTAAATGTGGGTAATGGTTGATAAATGTCGCTACCAT
CAGAGGTCGCTTACAAGGTGTCTAATTCAGAATCGAAGATCTCTAGCGGTCTTCTACTC
AGTCGACTGCAGAGACGACCGGGTAGGTTTTTCAACCCGAGCTCAACAAAGAAGCCCTC
ATAGCACAGCCTTGACGTCACTCAAAGACAGGCCCAATCCCGACTGCTAGAGCAGAGGC

CCGCCCCCTCGACCTCCGTGAGTGGCCCCGCCCCGCCCTAGGGGGCGGGGCGATGCCGAAC
TGCGGCGGGCTGGCTCAGTAAAGCGGAGGAGCGGGGGAAGATGGCGGCGGCCGTTCCAC
AGCGGGCGTGGACCGTGGAGCAGCTGCGCAGTGAGCAGCTGCCAAGAAGGACATTATCA
>EP73710 (+) Hs PPM1G; range -499 to 100.
AACTCGAATTATATCACAGATCGAGGTCTTCGCTTTCAGAAAAGACTCACATTCTTCTCA
TATAGGCCTCGCATGGCCTGGCCAAGTACTTCTTAAGCTCGGAACAAATACTGGTCAACT
TTAATTGAACCAAAATCGGGCGGGGTTTGGCGAGTCTGAGAGTGCAACGTTGGGGAGAGGG
GGATGAAAACACTGGAGGACGGGCTGAAAGCGTCGAGTCCGACACAAAAGAGGCGTCAGA
CAAAACGCCAAGAGGCTGGGGACTGGGAACGAAGGAAGAGGTTCTGCCAGAGGCGACCTG
CCACCTGCGCGAGGAAGCGGAGTAGGACGCGGCCGTTGGTGGGCGTGGTTCGCGCTAGTC
TCGCGGGAGCGGCCGTTGGGCGGGCCGTTGTCCCTGCGGGCGGGGCGAGTTGCTAAGGAA
ATGACTGCCCCGAGCGCCTGGCCCCGCCGCGCAGGCCGGGCGGGGTCTGGAGCGGCGCCG
TTTCCGCTTCCGCTCCCTCACAGCTCCCGTCCCGTTACCGCCTCCTGGCCGGCCTCGCGC
CTTTCACCGGCACCTTGCGTCGGTTCGCGCCGCGGGGCTGCTCCTGCCGCGCGCACCCCC
>EP73711 (+) Hs PPP1R7; range -499 to 100.
GGGAGAATGTTGTTGCTCTTGCCGTTTCGGCCATTGTACAGACGCAGCCAGGAGGCTCG
CAGAGGTCAGGGATGCAGTAGGACTGGCCCGACCTTGACGCCACGGAAGATCCGCCT
GGCCCCGCGGCCCTCCACGCCCTCGAGGTCGAGACAGTGACATAAGTCAACTCTCAAGCC
CAGGGCGTCTCTCCACTCTGCCTAGACGTCCACTCCGTCTGCCTGCAGCTACGGCTCTGT
GCGTCCCGCTTCGACTCCCTCTGCTTTCCTTCCCAGCTTCTCGCTCCAGACTGTTCCGG
CTCCGCGCCTGAAATTACCTGCTCTGGGGGAGGCGGGCGCGCGGCTCATGACGGAAC
TACAACTCCCATGAGGCGCTGGGCCCACGCAGGCGCGGCGCGGCTGAAGTCGCGCGGCCG
GAATCCCATTGGCAGGGCCGGCTCTGAGGCGGGAGCCCTGATTGGCTGAGGGGTCTGAGG
CGACAGATTCGGAAGGGGAAGAGCAGCCAACATGGCGGCGGAACGCGGCGGGGCGAG
CAACAGTCGCGAGGAGATGATGGAGGCTGAGCGGCCCTGCGGGCGGCGGCCAAGGGCCC
>EP73712 (+) Hs PRP51; range -499 to 100.
AGCAAACTCCTTGTCATGCACGTCTGTGATGTAAAAGTGTTTTAATTACGCCCCATCCTTA
TAAAGAGATAAAAAATGTGTTTCAGAAACATGCAAACTCGTGGCTGTATCCTGATAAACA
GATTTTCTTAAAGGAACTGTAAACCAGAGCCAGACTTACTTTCTGCGCTGAGGGAGGG
GAAATAAAAAAGCAGGCATGGTTGATTTCCCGCTAGCGGGAACGATCTGGCCTCAGACGT
CACCAGCATCCCTCCACCCCCAGTCCAACGTCTCCTGTCCCCAACAGCCTAGCTACAGGG
GGCCGGGCTATGGGTTAGTCTCGCCCCGTTTCATGCTCTTACCCAATACCTGAGAGAAT
CGGAAGGAGGAGAGACTACACCGAGGACCAACCCCGCCCTTCGCTCCCTCTTAGCTAAT
CGTTGCCAGCGGGGTGTGGACTTCGCCGCTGACCCACCTCCGCGGCTTTGGGTAATTTA
GAGCCGCGCGCCGGGCGGGAATGTAAAGATGGCGGAGTAGCAACGAAAGCGCTTGGTATT
GAGTCTGTGGCCGACTTCGGTTCCGGTCTCTGCAGCAGCCGTGATCGCTTAGTGAGTGC
>EP73713 (+) Hs PRSS8; range -499 to 100.
TGTGGCTCCAGATAATAAAAGCTGGGGCCAGGCCCTGGGGGGCATAACTGGCCTGAGATA
ACCTGAAAGACCTGAGGCGGAGGAGAGTCGTACATTCCAGGGAGACTGCACACACACAC
AAACCACATGCACGTGCATGCACGCACACTCAGACACACACACTACACACACAGGGACAC
ACACAGCCTACACATGTGCACATACAGCCTGTACATGCACACACACACATACCACACC
ACATAAGAGGACACACACAGCCTACACAGGCATACACACACACCACATACACACTACACA
CCGGGACACACACAAAAGGCCATGTCATGTGCACACACATACACACGGACACATACAT
GCACACACACGGGCTGCAGCTCTGAAAGGACTCATGACTTTGGTGGCAAGAGGAGCTGG
CGGAGCCCAGCCAGTGGGCGGGGCCAGGGGAGGGGCGGGCAGGTAGGTGCAGCCACTCCT
GGGAGGACCTGCGTGGCCAGACGGTGTGGTGACTCGTCCACACTGCTCGCTTCGGATA
CTCCAGGCGTCTCCGTTGCGGCCGCTCCCTGCCTTAGAGGCCAGCCTTGGACACTTGCT
>EP73714 (+) Hs PSMB1; range -499 to 100.
CTCCCAGTTCATGCACCTGTTGTCACATGGCTCTTTCGCGAGTTGTTTCTTAGTGGGACTT
CAGCACGCCCTTGATTTTCCCTTCTGTAGTTTATTGTGGCGTAATCATATGTTATACTGCT
TGTTTTCTTTGACTTTTTTATTATCAGTGAGGTTGTGAGCTCTTTAAGGATAGGAAATGT
TATATACATTTTTTATTAGCCAGGACAATTAACGTTCCACCGTTATTTCGAGTTGCCGTT
GCGCCATAGTTCTGACAATTTTTTTGTATGGTCAGACTTAAATTTTTGTCCATTGGGGTG
AATTCCAATGTTTTCTTCGAGGGGGAAAAAACAACAAAAAACCCTTTAC
ATCCCTGTCAGCGCTTTTTGGAATGGGCGGGATTCAACTACCAAGGGACAAGCCGCCGT
GCAGCCCTCCAGGAGCAACGACTAGCGTGAGATAGAGAGGCCGGGAGCGAACTTCAGGAG
AAGCCGGAAGTGGCGTAACGTCCGGTCAAGGCAGCCATCTCGCCGTGAGACAGCAAGTGT
CGGATCCGCGAGGCGCAGCCGTGCGATGTTGTCTCTACAGCCATGTATTTCGGCTCCTGGC
>EP73715 (+) Hs PSMB7; range -499 to 100.
GGGATCTCACTGTGGTCTGCTTTGCATTACCCCTATGACTAATCATGTTGAGCCTCTTT
TCACAGACTTAATGGCCATTCTACAGCAGCCTTTTGAGCTAGGTTGTAATCTCCATCTGA
TAGCGGAGGAAACAGATTTCAGAGAGTTGAAGAGACTTGCTTAACGCAAGGGGGTGGTGGG
GCTGTGCCTGGGACTTGGGTCTGTCTGTCTCTGAAGCACCGCAGAACCAATTAACGGTA
GAAACAAGTCCAGTCTGAGCGGCAGGAGACCTGGTCGCTGGTGCCTTACCTTGGACAAG
TCCTTTCCCGGTTCCGGGTGTCACTTCTCCTCCGTGCCACTTGGGGCGATATACTTCAA

ACATCTCTGGCCTCTCTAGGAACCAAGAATCTCTAAGATCAATCGTTCTAGTGCGGCGTTT
GCCCCGCCCCCTTCAGCCCCCGTTGCCAGCGACGCCGGAAGTGCTCGGCTCTTTTTGTTG
CACCCGCTCCGACCCGGAAGTCTTTCTTGGGAAGATGGCGGCTGTGTGCGGTGTATGCT
CCACCAGTTGGAGGCTTCTCTTTTGATAACTGCCGAGGTGCCGCTTCTTGGGGCTTG
>EP73716 (+) Hs PSMC1; range -499 to 100.

ACATTTGGCATCATCACAAGTCACAGGTCATCAGAAAAAGACAGGTTTAGAAGACTCGTT
ACACACATACTCCAGATGTGACAGTTAAATTCAGAAGCTGAATAATAACTGAAATATT
TGTGCAAATGTATATGTCAACTTCCAGTCCAAATACCATTCCAGTTTTTAGAACCATA
AAGTTCTTCCAGTTATAAATTTTGCATAATTTAAATATTTTATATTTTACGATTGTCC
TAATTCCTTTGACAGTAGGGGTCTTGTCTTAAGTTGTTGACAAGCGCCTCATAACGGGTA
TTCAAAAATTTCTTTCAAGTAAAATATTTATAAAGTTCACTTTATGCTTATAAACTGCTG
CGTTGCCCTAGACCGCCCGCACAAAGCCCTTGGAGCACAACCTTGGTCAGCGCAGAATTTGG
TTCCTATCAGCTTCCGTAGCGTCCCTAACGACTTCCGCTCTGGCGGGCCGAGTGGTGG
AGGAACTTCCGGCAGCGGCAGCTCAAGTGGCAAGGCAAGATGGTGAGTGAATAAGGGTT
TCTTTCCGCTGGTGTGCGGTCGATGGGGTCTCAGCAGCCTGAGGCGAGAGAAAGAGG
>EP73717 (+) Hs PSMC5; range -499 to 100.

GGGAGAAAGTAGAAGTTGGGAACGTCTCTTCCGGAGCAGGATTCCACTTCCAGTTTC
CCACTTCCAGTTTCCCACTTCCCGCAGCAATTCCACCCCGCGCCCTCTCCGCACACTAC
CTAGACCCAGAGCCGCTTTCTCCACACTTGAACCGCACAAAGTATGCAGCTAACTACTTC
CGCTTCCGCTTGGTCCCTGCGTCCCTGGCTCGAGGTTTTCCGCCATTTTGAAGTGTGGC
CCTAGATTGTTCTCAATACTCTGTCTTGGGTTTTGTAAGTTGAAAGTTGAGACTAGGAA
GGCATATCACAAGAACTATAAACAGAGTTTCAATGAGGCAACACTGAGGAGGAGTTCTAC
TCCTTCTCATCCCTTCCAAAGCCCTGAACTCGAGTAGCCGCCCTCCCATCATGGTT
CCCTTAGTGTGGTCTCGCCGACACCCCGCCATTGACCCGGAATTCTTCTCTGCTGGT
CTTCAGGTCCCAATCTCCGCTTCCGCGCTTGCAGCAGGCTCGGATGCCGGCGG
TCTCTGCTGAAGAGAGAAGATGGCGCTTACGCGACAGAGCAGGTATGGCGGGTGCAGTG
>EP73718 (+) Hs PSMD7; range -499 to 100.

GTGGAAACCTGCAGGTTGCCACGTTCAATGCAAAAGTGTCACAGTAAAGATAAAGGAGAA
ATCCCCCGCAATGAAAACGAGAATGAGATAAATTACCAAATTACATTAAGAGCGTGCT
CTTATGTTAGAGATTTAAAGTTCTCTCAGAAATCGCGGAGGATTTTACCTGAAGCAAA
AGTGAACCTTCTCCGGGTGGTAGAAAAGTAACTGTCAACTATTTACTTTGGGGGGTGG
CGGGGGGAGGGTGCTGGGAAGGAATTGAGGCGAAAAGCCTCTGCAGGTGACGGTACAGGC
CAATACCAGGAGTCAAGTCGCCGCTGCTTCCGCTTAAAGTCCAGGGAACGACGACG
GCGAGGGACGAGGGGCGATTCCCGCTTTCTCCAGCCCTTCTCCGCCACAAATGACGG
CGGTGGCGAAGATCCGGGCGCCGCGCGAGGCACTCTGGGAGCGGAAGAGGAGGCCGCG
GCGAGGGCTGACGAACCGGAAGAAGAGGAACTGGGCTGAAAGGTTACCGGTGACCGCTA
CTGCTGCCGGTGTGCGTGTGGCAGGGAGCCAGGCTGGCGAGCGGGGTGTGTGCGGAT
>EP73719 (+) Hs RGS2; range -499 to 100.

CCCACTCTTCATTGCAAAATCAGGCCACTGCACTCCGGCCTCGTGGCGGGCGACCTCCTCC
TGCCAGGGAATCGCGCTCTGGCCTCGGGTGGGGAGCCCGTCAGGGTGGGTGAGGGAGC
GCCGGCGCCCCGCCGGGCCGCCCAACTTCGGCTCCCTCCCTCCGTCGAAAGCCCTC
GAGCCCGCCCGCCGACGCTTCAGCAAAAGGTCGTGCGCAGCGGCCACACTGAAGAC
TCTCCATCTGCTCCACACCTGCCCCAGCTGGCCGCTGTATGTGGCCGAGTGCAGCAAG
AAGCCGGGGCCGAGACGTACGACGCGCCCGGCTTCGAGACCTTCGGCAGCAGCCGTG
ACTGCCGCGGGCGGGCGCTGACCCATCCCCGTGCCAGTCTGCAGCCGACCAATCCGCGTC
CTTTGAGGCGGGGCCGAGCCGCGAGGCCCGCCCCCAAGCCGAGGCCTCATAATGCT
GCGACGCACGCCAGCCGCAACAGCCGGGCTCCAGCGGGAGAACGATAATGCAAAGTG
CTATGTTCTTGGCTGTTCAACACGACTGCAGACCCATGGACAAGAGCGCAGGCAGTGCC
>EP73720 (+) Hs RNF4; range -499 to 100.

CACAAAGGCCTCGTTAAGAGCGAGGAAACAAGAGCCGGGAGAGGGGCGCGAACCGCGG
GCGGGACGAACGACCAGCTCCGCGCTCCGGCCAGCTGCGTCGAGCCAGGGGACCGCGG
CTGTTGTGCGGCTGGAATCTAGGAATGGGAAGGTTGCGGGCTGCTCGGCTCCGGAGGC
AGCTGGCGGGTCTGCTCCGCGGCGTTGGAGCGGTGAGTGGCAGCCGGGCACGGGCGACC
GGGTGCGCCGGGTGCGCTCAGACCGTGACTCCGAAAAACCTTGGGGCGGGGCGCGCC
CGCGCGTCTCTTGCCGAAGGTGCGAGTTAGTGCCTCGATTGTGGGCGGGGCGGAAA
GAGGCGCGTTTTAAAGTGGTAACAGATGGTTTTCTTATCCAATAGGATTAAAAAATTTGT
CCTTACCCGGCCGACCGCGGAAGTAGAGTAGGCGGGCGGCAATGGGGACATGATGGGGG
GCGGAGCCGAGGCTCCGAAGCGGAAGTGGGTTGCTGTTGAGGCGGCGCATCTTTCTCG
AGGAGCTCTCTGGGCGGTGAAGAAGGAGCTTCTTCTCCGGAGTGCGCCGGCGGTGGCG
>EP73721 (+) Hs SAT; range -499 to 100.

AAGGCAAATGACGTCTATAATTCTAAAAGTCTCTCCACCGAACTCTAGAAAGGATC
TTGGGATCTGCAGGGTCTCCCGATCACACTTTGAGAACTGCTGCTTTAGTCTTCTCCC
ATCTCCTAAGGCCAGAGCTCTGAGTTTGTCTCCACTGGCCAAGGAGAAAAGAGCAAGG
TCACTTGTGCGGGGGCTGCAGAGGGAATTACCTTCTTTTCAATTTGCAAATGTTACTGGGG
ACACACGGCTCCAGTAGGGTTTCCGCCAAGGCTCCGCGAAACGCCACTAGAGGGCGCC

GCTAGCGAATCCCACAGCGCGCCCCGCTGCCCCACTTTTGTCTCCGGGTTACACGGG
CGCCCGGAAGAGAGGGTGGTGCCTGGGAGAGGAAACGATGCGCCCCGGGGCCGCGGCCTC
ATTGGATGAGAGGTCCCACCTCACGGCCCCAGGCGGGGCTTCTTTGCGCTTAAAAGCCGA
GCCGGGCCAATGTTCAAATGCGCAGCTCTTAGTCGCGGGCCGACTGGTGTATCCGTCA
CTCGCGGAGGTTCTTGGGTGATGGTGCCAGCCTGACTGAGAAGAGGACGCTCCCGGGAG
>EP73722 (+) Hs SEPW1; range -499 to 100.

TGGACCGCTCCCTGAAAACCTCCCCCTCAACTCCCTGTCTCCTCCCTCACCTGGTCTACC
CCGAATCCTTCCCTCTCGCCCCCTCGCCCTCTCCAGGGGAGGTGAGGGACTCAAGAATC
GCGCCCTGCTTCTGTCCCCACGCGCCGTCCCAAGCCACGCAGTGAAAAGACCACCT
TGAGGCTGATTCGGGTCCAGCTGGGAGCGGCCAGCCGTAATCACCGCCCCCGTGGGCC
GTACCATTTCTGGCCGGGGGACCTGGGAGGGGACGCGCGGAGGGCTTCCCCGGGGACTG
CCTGTATCGAGACTCTCTCCAGCCCAACAGGAGGATGGGAAGGAGACTTGTGTGGGGGCC
TCGGGCTGGCGGGTTCGCGGGTTCCTTATCTCCGCTTGCGCCTCTCCGCCACCGCCC
ACCGCCCCCTCCCTGGCATTGGTTGGCGCCAGGGGAAGCCGAGGCTCCATCCTTTCTGCGC
AGGTTCCCGCCGCACTCGCGCAGACCTAGCGCGTCCAGGTGGGAGGTTAGTGTGGCCCGG
GCGTCCGCTCCTCAGCGGATGTGGCAGCCCCGAGCCATGGCTCTCGCCGTCCGAGTCGTT
>EP73723 (+) Hs SFRS3; range -499 to 100.

GCTTTTCCTTACGTGTGGAATCTAGGCGGCCACAGTCTGGTGCCAGCTGGGTACAAACA
GCTCCGTGACCTGTTTGTAAACGCGATGCTCTTAGTTCCAGACTAACCCTCACAAGGGT
GAAGCACTTAATTAATTCATCTTAACTTGTAGGGGCCAACGGCTCCTATTAGTGTT
TGAGCGTGACGGCGACGGTGTGTTATGAAGCCCTAGCCTATTTGGAGGTGAGGAAGAG
GAGTCTGTGGGTAACTGGAGGTGACAGACCGGGAGGAACGCTCGAGGGAGCACCAGGC
CTGTTACAACGAGCGCGCGCCGACGACGTCTCCACCCACCGGCGCAACCGCCAGAGCG
CGCTCCCAGCAACCGGGCTCTCGCTGCGTTTGTAGCCATACGTACGCGCTCTTCTGCT
TCTATTGGGGGAGCCGTCGAATCATGTATTCCAGTATGGCGTATAAATAAAGGCGAG
GAGAAGGCGGTGGTCCGCCATTTCTGTGGACGCCGGGTGAGTGAGAGAGTTGGTTGGTGT
GGGCCGAGGAAAGCGGGAAGACTCATCGAGCGTGTGGATTTAGCCGCCGATTTTTT
>EP73724 (+) Hs SH3BGR1; range -499 to 100.

CCTTCAAACTCTGCAGCATTGCTCAGTACTTTAGTGCCTAATTCCTACAACGAGCTAAG
ATCAGAAAAATCACTACGTAATAGGAATCTTAAATGCGCAAGGCTTTGAGAACATGGGT
TTTCAACATACAGCTTGCTCTTTCAGGATCTGTCTTCTATTGTCATATATTTCTGAGCA
GGAAGTTATGCGCAGTACTTTTAGTCTCCGCGTGAAGGTCCTTCATGCTAATCTAATT
CAATTCAGTTCTCTTTTCTTCTTCTTCTCTCCTCGCCCTCTTCTCAGGGAAGGAATCGT
CAAAAATCAATGTTTCAACAGATCTCGCGGTGCTATTTCGAGATTCCCTATTAAAAA
TAGAATTGATGCAACAGCCTGTTCTTCCGGGGTTTTGGGCTGGAAGTGCAGCGCTTAG
AGAGCTCGGTGGAAGCTGCTAAAGGCGGAGGCGGGGCTCTGGCGAGTTCTCTTCCACCT
TCCCCACCTTCTCTGCCAACCGCTGTTTCAGCCCCTAGCTGGATTCCAGCCATTGCTG
CAGCTGCTCCACAGCCCTTTTCAGGACCCAAACAACCGCAGCCGCTGTTCCAGGATGGT
>EP73725 (+) Hs SMARCB1; range -499 to 100.

TGATGCACCAGCAAACCAATACCACCTGGGCTTTGAACATTGCCAAGCCTCATCCGC
TGTTGTCATTTTGCCACCTCCACAGCTGCAGGGACAGCCGTAGGCCCGAACTGGGATA
TCTCTTCTAGGGGCTGCCTATCTGCTCAGCTGCACTGCGTTTTAGGGGTGGGGAAGCT
AAGGCACGAGATTGGGGTCCCAAAGCATGCCAGACCACCCAGGCTTCCAGATACTAGGT
CCTCTCCTTCAGGCCTCACTTCGTTGCTTTCCCTGGGCTCAGTTCCAGTCTGGCTG
TAAGACTGGGAAAGCCACTGCTTGAGTCAGGACCTCATTGGCTATTTTTGTCCGTGAGAA
GTCCTCTACACCACGACTTGGGAGGCAGCTGGGAGAAAGAGAAATTAGTCGTGGCTCCT
TTAAGGGGTCCGCGAGGCGCGCCCGGCTTTGTTTGGCGGCGGCGCGCGCTCAGCG
TCAACGCCAGCGCTGCGCACTGAGGGCGGCTGGTCTGCTGCTGCGGCGGCGGCGGCGG
CTGAGGAGCCCGCTGAGGCGCCAGTACCCGCGCCGTCGCAATTTCCGCTTCCGGCTTC
>EP73726 (+) Hs SNAP25; range -499 to 100.

CCATCACTACCTTTTACCCCTCCTCTGCCTTCCCCTCTCCTTAGATGACTCAACCACAGA
TTCCACTGAAAGGGGTGGGGGTGGGGGTGGGGGGAATATATACACATACACAAAATT
ATACATATATTATACATGTATTATAAAATATACACACACATACATATATACATACACACA
CATATACACATATGTACACACACACGACACACACCAAAGAACATCAGGAATGCAGTTGC
GGGATGAACGCTTTGCCAAGACCGAGTGTTAAATGGAGTCATAAGAGTCGCCCCGTG
CGGGTGTATAGAAGGTGAAAACACGCGAGTTTGCAGGCCAGCGCACTGGGAACCGAGT
CAAGCGCGCCGAGCCCGGGCCCCGCCCCGCCCCGCGCTGCCCGCCCCCACTTCTCTC
CCGCCCTCGCTGGGCGGCTATTAAAGCTGCTGACGTCAAACGAGCGCCATCTTTGA
TGAGGGCAGAGCTCACGTTGATTGAAGACGAAACCTCGGGGAGGTGAGGCGCTGTCTTT
CCTTCCCTCCCTGCTCGGCGGCTCCACCACAGTTGCAACCTGCAGAGGCCCGGAGAACAC
>EP73727 (+) Hs SNX1; range -499 to 100.

TATCTGTATTTCTTAATGAATTAAGTGAATGTTGCTCAAGGAATAAGTGGTGAAGCTTT
TTCTAGTCTTGTTCAGATACCTCAATCGAAATATTTATTGACTCTCTGTGAGGGCATTGT
GCTTGGCATGGGTAGATGGCATGTAGAGTTTTCAAACATTTTAGTGACACTCCTTCATT
CAGACGAACCTTAGAAGCCTGTTGGATAAAGCTATCCAGAGCACAAAGGGCCCTAGAAA

CCTGAGCAGCCCTAACTCTACTTTTCTGCCCTTTGGCCCCACTCGTTAATATCTCAG
CATCGGAACCAAGGCTCGGATTTGCTGCGCAGCCTCAGCTGGCCGGGTGCCGCCCGCC
CCCAGCGCTAAGCCCCGCCCTAGGTCTCCGCCCTCGGATCCCACGGGGTCCCTTGCG
GCCCTCCACTCTCGACCGTTGGATCGCTTTGCTCACGGCGCTATCTCTGATAAAGT
TGTTGTTGCGGCTTCCGCCGCGGGTGAAGAAGATGGCGTCGGGTGGTGGTGGCTGTAGC
GCTTCGGAGAGACTGCCTCCGCCCTTCCCCGGCTGGAGCCGGAGTCCGAGGGGGCGGCC
>EP73728 (+) Hs SNX2; range -499 to 100.

ACAGCACAGATAGGGAACATTTCATCATGTGCAAAAATTCTATTGGACAGTTCTAGAGA
GATCTAAGAGACAGTACGTGTCTCTCGCTACCAATACTCCATCTCGCCTCAGCCTGCGT
GCAATCCAAGCCAGAGACTGGTGCCAGGCTCTACCACTTCTACAGAAGATTTAAAAA
CTGGTAGTGCCAAACAGAAATTATTTAGCCTAGTCCCGCCAAGAAGGTGATGTGGTAATAA
AGTCCAAGATTCTGCCACATAAGTCGGGTGAGCAAGTCGGTGGCGAAAAGAGGGCCACGT
CCCAGACTTTCTGGGAGGAGGCGGGACAAAGGGGCGGGGCGAGCGCAGCGCCCTCCGGGT
GGGCGCGCTCAAGAGGCGGGGGCGGGGCCGAGCGCGGTGGGCGGGGCTTGAGAGGCC
GGCCGGGGGCGGGGAGGCTGGCGGGTCGGCGGGGCCAGCCGTGCGTGCTCACGTGACG
GGTCCGCGAGGCCAGCTCGCGCAGTCGTTGCGGTGAGCGAAGATGGCGGCCGAGAGGGA
ACCTCCTCCGCTGGGGGAGGGAAGCCACCGACTTTGAGGATCTGGAGGACGGAGAGGA
>EP73729 (+) Hs SUP4H1; range -499 to 100.

TGGAACCCCTATAGCGCTCTCGCAGTTAGGAAGGAGGGGTGGGGCTGTCCCTGGATTCT
TCTCGGTCTCTGCAGAGACAATCCAGAGGGAGACAGTGGATTCACTGCCCCAATGCTTC
TAAACGGGGAGACAAAACAAAAAACAACACTTCGGGTTACCATCGGGGAACAGGACC
GACGCCCAGGGCCACCAGCCAGATCAACAGCCGCGTCTCGGCGTGC GGCTCAGCCC
GACACACTCCCGCGCAAGCGCAGCCGCCCCCGCCCCGGGGGCCCGTGA CTACCCAC
ACAGCCTCCGCCGCGCCCTCGGCGGGCTCAGGTGGTGCAGCGGCTCCGGCCAGGTGG
CGGCCGGCCGCCAGCCTCCCGCCTGCTGGCGGGAGAAACCATCTCCTCTGGCGGGGT
AGGGGCGGAGCTGGCGTCCGCCACACCGGAAGAGGAAGTCTAAGCGCCGGAAGTGGTGG
GCATTCTGGGTAAACGAGCTATTTACTTCTCGGGTGCACAGGCTGTGGTCTGTCTATCTC
CCTGTTGTTCTTCCCATCGGCGAAGATGGCCCTGGAGACGGTGCCGAAGGACCTGCGGCA
>EP73731 (+) Hs CALM2; range -499 to 100.

GTGGCAGGGAAGGATACGTGGAAGAGGAAGGTTCTCCAGCCAAGCGCAAAGCAGGCGACT
CTGCCGCTGGCGCAGTTGCCAGGACAGCGCGGCCGAGCAGCAACGGCAGAAGCCGCAC
CGCGTCCCGGCGGCGGCTGCGAGTCCAGTGACGCATTGCAGGTACAAACCAGCCAATCA
GAGGCAGGCTCAACGACCAACGGGGACGCATCGCCGCCACGATGCTCCTCCGCGCCGCA
AAGTAGCGCCCTCAGGGGCGGCTCCACCGCCTTTTAAACGGCTCGCTGGAATGAAACC
CACTTACGTATCCGTTGCGCCACTTTCTTGATCTCTTGCCTCATCGACCAAATAACTG
TGAAGAAAGGGTCCCAGAAAGAGTTTGAGGGGAGGGGTTGGCCGGGACTCGTTTGCGA
TGTTCCGTTATCTGGATGCGGCGGAGGGATCTGGCGGAGGGAGGTGTTTATGAGGCGCTG
GGGGCGGAGGAGGCGAATTAGTCCGAGTGGAGAGAGCGAGCTGAGTGGTTGTGTGGTCGC
GTCTCGAAACCGGTAGCGCTTGACGATGGTGAGTGCATCGCTGAGCTGCCGGCGTGG
>EP73732 (+) Hs CAPG; range -499 to 100.

AAAAAACCAAAAACTGATCTTAAAAAAATCAAATACTTGCAATTCAGGGCAAGGAGAAA
GACAAACTGAGGGAGGAGGAAAAAGTAATGTGAAGCCAGTGACCCTGCCAGAAAATGTG
ACTAACCCAGCAGCGGTGGGGGTGTGCCGCGCTGCCCCAGGCCCTGAATGGAGAACAT
GGCTTTCTTGCTGGTCTCAGACTCAGAGATGCCCTCCCTGATTTGCCTTGGCTGTGACC
TGACGCGGGCTGAGGCCACTGTGGTGGGGCTGTGTGGACCTCCAGCCTCCCTGTGTGCC
CTCTGAGGAGACGGCTGGCATACCCACTGCCACCCAGTGACTGCTCTTCTGCTTCAG
GCCTGCTGGCTCCCAGCACTGCCTGCCCTCCCTGTGCGGGGACATCGCCTCCACACCG
GCTGGGGAAGGAGCCCAGGGGTGGGGCTGGTGGGTGGGGCTGGTGGTTGGGCGAGCCAGA
GAAGTAAGAGGGAAGTGAGAAGCCGGGTGGGGCAGGCTGGAAGGAAGACGAACCTACGAA
GCAGAGGTAGGAGGAAGAAAGAAAGTAGGAGTGTTGAAAGGTGAAGGTGGCAGGGTGGC
>EP73733 (+) Hs CCND3; range -499 to 100.

GGCGTGCGCTGTAGTCTAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATAGCTTGAATCCG
GGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAG
GGAGACTCCATCTCAAAAAAAGAAAAAGAAAGAAAGTGCCTCTCATGATGTTGTTA
CTTCTGGATAGCAGTGGAGGAGTTGCCAACGCCGGGAGGCAGCGGTCCGGGAACCCGT
GCTGCCCCGGCCCCGCCGCCACACCTGAGCCTCCGTGGCGCCCCGCCCGCACCTATG
CCGCGTGGGGCGGGGGCTGCGGGCGGGGTGCGCGGCGCCGGATGAGCCTCCTGGCCTCG
CCGAGGGTGTACAGGGGTGGGAGAGTCAAGCCGGGGACCGAAACTTGGCTGAGCAGAGC
ACCAGCCCCCTTGTCTCTCCGCCCTCTTCCCCACTTCTGCCAGCTCTGGATCGGC
GGCGCGGCGCGGACTTTGTAACACTTCGCCACTGCAGGGGTGGAGACTGGCTCTGTTG
GATGCCGCGCGGGGGGAGAGGTGCAATCTCTCTCGCGGCTGGTGGTTGCGACCAACC
>EP73734 (+) Hs FNTB; range -499 to 100.

AAAATCATAATACCCCCCTCCCTCCATCACTGAGTGATACTGAGACGGCGTCCTTGACG
TTTGAGCAGCTGCTGCCTTCTCTGGGAGGCTGTCAAGTACCCCAAGGTGCACAATAATT
CTTTAGTAATTGCCTGACTGAGGCAAAATCAGTAGAGCTGTCAGAAATGCTTTCAAACCTT

AACATTTCATTGGGTTCTTGGGCACCTGAAATTGCAAACAATTGCATTACAATTAAGTGAG
AATTAGCAGAATGTTACAGTTCTTTAAACAATTTGCGTAACAAACCGAGGCGTCCTACGCC
ATCTCGCTGAAATGAAATTCGGATGTAGACACCCCTTGCCTTCAGGACTCTACGCTCTTG
CAGCAGCTCCTCTGCCAATGGGGGGCGGCAGCATCTCAGTAACCTACTCGAAAGACGGG
TAGGCGGGAGGAGACATTCGCGTTCAAATCTTTTGCCTCTATCCGCTCGCCGTAGCGC
TTTAGCCCGCTCGAGTTTCAATGCGCGTTGTTGCTTAACGAAGCAGAGTCCTACACACTG
TCTGCTGCTCTCTGATCATGGCTTCTCCGAGTTCTTTACCTACTATTGCCCTCCATCT
>EP73735 (+) Hs GLUL; range -499 to 100.

GGAAGCGGGGCTCGGAGGCTCCCTCGCAACAAAGGCTAAATTCGGTTTCCCTGGTTCCG
CATTTCCCCAGGAGCTCTCCTCGTAAACTATTCCCGTGAAGGCGGCAGGGCAGAGGT
CCAGGGCGGGGCTTTGCTGGGAGCCTCGGGACCCCGGGTTGGGGGCCGTGGGGCGGCACCT
GGCGAGCTGGCGGGTGGGCGGCGAGCCGAGGCTTCCCGGCTGGCGGCAACTCGCCCTC
TGCCCTCAGCCCTCCCGGCTCCGCTCCCTTCCCCACGCCGCCCTGCCCTCCCCACGC
CCCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCCAGTTTCGCTTGCCCCACCCAGCGGCGCCCGCC
GGGCTCCTCGCCAATGGCCGCGGGGCCGGGACCGCATCAGCTGATCGGCCGGGCTCC
TGGCCGCTGGGAGCCAATCAGGGCACCGGGGGCGGCCCGGGCCGCGGATAAAGGGTGCG
GGGCTGCTGGCGGCTCTGCAGAGTCGAGAGTGGGAGAAGAGCGGAGCGTGTGAGCAGTAC
TGCGGCTCCTCTCCTCTCTTAACCTCGCTCTCGCGGCTAGCTTTACCCGCCCGCTGC
>EP73736 (+) Hs GNAI2; range -499 to 100.

AGGCTCCCGAGTTCGTAGATCCCAAAACAAGTTTACTGGACTCATTAACCTTTAAACAATG
ACAAAGACACGCCTCCTCCACCTAACTCGCCCAACTCGCAGAAGCTCAGAGGGCTGGTTC
CTGCTCTGCCCTCGAGGGCACCGATCCCCACCTCGGGTTAACAGATCCGCCCTCCCGG
CTGTCCAGCAACAGAGCTCCCGGCGCTCCGCACCCAATCACAGCCCGTCCCGCTGCAG
CCCGCCAGTGCCGGGTCCCGGGGTTTGAACCAACCCCTATTGCCTTTTCTCCGCGTGGC
CCCGCTGCAGCCAGGCCCGAGCCTGGGCTGCGCCTAACTTCCCCCTTCGCTCCGCCCT
CGAGCCAATCAACAGCCTCTAATCTCCTCTGGCCCCGCTGCAAGCCCCCGGCCAG
TCACAGGCTTGTTTCGCCAGGCCCAACCCCGGCCCGGCCGCGTGGTGCGCGGCGG
TAGGGAAGGCGCCTCCCGCAGTGCCTCGGAAGTCCGACCCGAGTGCTTCCCGCAGAGGG
CTGGTGGTGGGAGCGGAGTGGGTGCGGCGGGGCGAGCCGGGCCGTGGGCCGTGTGGGG
>EP73737 (+) Hs H2AFZ; range -499 to 100.

TCCGGGGCCCCGAAAGCGGCTGCGGGTGCAGGTCTCCGCCGAGAGGCGCTGGGAATG
GGGCTGGGAGTGGTGGGGCGGCGTGCTACATACCGAGGAGACTTACGTGGTCTCTAGA
GCCCTGCTAGGGGACCCGGGACGCTACCGCGCGCCCTCCCTGAGGTCTCAGTCCCTCC
TCCAGGCACGTGATCGCAGCCGGCTGGTAACTGCGCTCCTGCAGCGTAGCTCGCTCTGT
TTCTTCCCTCCCGCGGCTGCCCTTCTTCTCCCCGTTCCCATCCCTCCGCCTTCCCC
GCCTCTCCCCCACGCCCAATCGCGGCTTGAGATTAGAAGCGCCCGCCCTCCACCCTT
TTCTTCGCTTGCTCATTGGCTGAAGTCTCAAGGACGCGTCCCGAGGGCGGGTGGCAGCCA
TTGGTGGGATGAGCAATCCGAGTTCCCGGATGAGGGAACATTCTGCAGTATAAAGGGAGC
AGGGAAGGCGGGAGACAGCGCAGTTTGAATCGCGGTGCGACGAAGGAGTAGGTGGTGGGA
TCTCACCGTGGGTCCGATTAGCCTTTTCTCTGCCTTGCTTGCTTGAGCTTCAGCGGAATT
>EP73738 (+) Hs HLA DRB1; range -499 to 100.

TGAAAGATCATGGTGCCTTCAATTTCAACTGTGAGACATGACGTAATTTCCCAAATCTAC
AACATTAAGATATGGTGCAATAAGGACCAGATTAAAGGTCTCCTGATTTGCGGCCATGTT
CCCTCCATCTCCTTTACTCTAAACACACTCACACTCACTCCTGCAAATAGTTGTCTTGT
CAAGTGGGAAATGAATGCTCTTACAAGGCTCAAACCTTGTAACACATCACTGACCAGCAC
AGAGCTGGCTACAATAGCTCCCAATTAAGGTGTTTTACATGCAACTGGTTCAAACCTTC
CAAGTGCTAAATTAACAATCCTTTAAGAAGGAAATCTGTTTCAGAAGAGGACCTTC
ATACAGCATCTCTGACCAGCAACTGATGATGCTATTGAACTCAGATGCTGATTGGTTCTC
CAACACGAGATTACCAACCCAGGAGCAAGGAAATCAGTAACTTCTCCCTATAACTTGG
AATGTGGGTGGAGGGGTTTATAGTTCTCCCTGAGTGAGACTTGCTGCTTCTCTGGCCCC
TGGTCCTGTCTGTTCTCCAGCATGGTGTGTCTGAAGCTCCCTGGAGGCTCCTGCATGAC
>EP73739 (+) Hs NR4A1; range -499 to 100.

GGAGGGAGCCGGAGGGACCGGCGCGGTTGGCTCCCGGGAGCAACTGGAGAGTGAGGAGA
TCCTCATCCGGGAAGCCCCGCGCGCTCTTACAGCGCCCTTCTCGGGCTCTGGCC
CTCCCGCTGGTTATTCTGGACCTGGGGGCCCCAGCTGGGACCCGAGTCCGGTGCGGGGA
GCCTAGTGGGCTGGGAGCTGCTATTTTTAGCGGGCGCGCGGGCGCGAGGAGCCTATTT
ATAGATCAAACAATCCGCGCTCCCTGCGTCAATGGAACCCGCGTGCCTCACGCGCGCAG
ACATTCCAGGCCCCCTCCTCGCCCCGCCCTCGGGTCCCCGGGCGCACCTCCCC
TGCGCCGCTCCCGCCGAACCGCACCGCCCCCGCGCCCTTGATGGCCAAAGCTCGACG
GGCGGCTGCGTCAAGTGGCGCCCCCGCCCTCCCGTGCCTCACGGAGCGCTTAAGAGGA
GGGTGGGCTCGGCCGGGAGTCCAGTGGCGGAGGCTACGAACTTGGGGGAGTGCACA
GAAGAATTCGGGAGCGCACGCGGGACAGGGACAGGCTGAGACTCGGGGCGCCAGTCC
>EP73740 (+) Hs HSPD1; range -499 to 100.

CGACACGTGAAAAAATCACCCAGCGCGCAGGCGCGCTCGCCCCAGCGGTGCGCGCTAGCC
CCCTCGCCCCCTCCAGGGAGGGAGGGCGGTGCCCCGACGCGCACCGCGATTGCCCCAA

GGGCCCTGCGCAGGACGCTGACGCGAAGACTCGGAGGCGGAAGAAAAAGGAGCTGTTTC
TAGGCTTTTCTAGGCGCCAGCCGAGGTGAAAGAACTACCCCTTCGTCCCTCCCGGAAA
TGACGCGATTTGACCCCTGAGCCGTAGGGAGCGCGGCATTTTCTGGAAAGTTCTGGAACC
GAGCGAGGCCCGGAACTAGACTAAGCCGCGCGAGAGGGCTGAGCGCGCTAGCACACCC
TGCGCGGGTAGGGAGGGGCGGGGCTCGCGCGCAGGGTGTGCAGATTGCAGGGCCCGGGCT
GACGGGAAGTGGGTGGGAGCTGCCTGCACACGCGGTGCCGCGGGGCGGGAGTAGAGGCGG
AGGGAGGGGACACGGGCTCATTGCGGTGTGCGCCTGCACTCTGTCCCTACTCGCCGCC
GACGACCTGTCTCGCCGAGCGCACGCCCTTGCCGCGCCCCGCAGGTACGCGGCCTTCCCG
>EP73741 (+) Hs HTN1; range -499 to 100.

AAATACAAGATAAATAATGATTTGTAGGAAAACCTTTTGAAGTATAGAATGACTCCAATTT
TATTATGCCAATTATCACTATTTACTAGAGAATGTGTAAAATTTTGATAACATGGTAAGT
ATTATTTTGTACATAGCGTTGTTCCATCTTGGACATATATTTGTTGAAAAGTAGTAGATG
GTATTCTACAGAAACATCTTTATCACTGCAATCATTTCTATGCCTGGTTTCTCCAGCGT
GCTTTTCCGTTGTCTGACTCACTCAGGGCTAGACTAACACTGGGATTAGCATGTGATGGG
TCCATTCGCTTTCGGTTGCTTTGTCTTCACAATGATCTATTGTAAATCACCTGGTTAA
GTTTATTTTGTAGATTTGTAGAGACAGATTTTGGGCATTACTTTCCGTCTCAATCATATG
ATCTCCTAATTGATGCTATTAGAAAAACAAAAGGGAGATTTCAACGTGTTTAAATACAT
CAGCCATATAGAAAAGGACATCTCTTGAGACTTCACTTCAGCTTCACTGACTTCTTGACT
CTCCTCTTGAGTAAAAGGTAATATGTTCAAGTACAATCTAATATTATATATTAGCATAAG
>EP73742 (+) Hs ID2; range -499 to 100.

AGCTCTAAGGTGTGTAGGGCTTGGTCTGGGAACACCCCCAGGGCAAGGGTCCCGCCGCGC
GCTTGGAATTAGAATTAAGAATGCATATTTAGGCGCCAGGGTCTGCCCCCTTCTCCCTC
CTCCTTCCCTCCCTTCCCTTCCCTTCCCTTCCCTTCCCTTCCCTTCTTCTTCTTCTCC
TCCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCT
CCCCCGCCCCCGCCAGCCCGCACTTACTGTACTGTACTCTATTTACCACCCAGCTG
GGCTCGCGCCCCGCCCCACCCGCGGGGATTGGCTGCGAACGCGGAAGAACCAAGCCACG
CCCCGCGCCCCGCGCCACCAATGGAAGCGCCCGCTCGTCTTGATAGACGTGCCACCTTCC
GCCAATGGGGACGAAGGGAAGCTCCAGCGTGTGGCCCCGGCGAGTGCGGATAAAAGCCGC
CCCGCCGGGCTCGGGCTTCATTCTGAGCCGAGCCCGTGCCAAGCGCAGCTAGCTCAGCA
GGCGGCAGCGGGCGGCTGAGCTTCAGGGCAGCCAGCTCCCTCCCGGTCTCGCCTTCCCTC
>EP73743 (+) Hs COX6B; range -499 to 100.

CCCAGGAGCGGAGGTTGCAAGTGAGATCGCGCTACTGCACTCCAGCCTGGGCCAT
AGAGTAAGACCTGTCTCAAAAATTTAAAAAAGAAAAAATTTAAAGAAAAGAAA
TACCTGACACAGAAAAGCGTTCAATAAATATTTCTTGATGAATAAAAGTACTTTTCGT
GGGACATTTTCTCCACACCTACCCTCCAGCCAGCCCCGGGATCTATAAACTCTCTCCG
AGTGAAGACACAGAGGTGATGAGATCGGGTAACCCACGGGCGCCGAGCCCCAGCCGCGC
AAGCTCACGATTGGGCCAGAAGTGAGGATGAACAAGCATTTAGCCCAATAGAAAGTCGTA
GTTCTCTTGCTGGGCGTGGCTTGAATGACTTCAGTGGCCTCCTCCTGGGAGGGAGCTGAA
GCCGCTCGCAAGACTCCCGTAGTCCCCACCTCTCTCAGCTTCCGGCTGGTAGTAGTTCCG
CTTCTGTCCGACTGTGGTGTCTTTGCTGAGGGTCACATTGAGCTGCAGGTTGAATCCGG
GGTGCCTTTAGGTGAGTGTGGAGGGTCTGTAACTGGGACCCAGTCTAGCGGGCTGAG
>EP73744 (+) Hs KPNB2; range -499 to 100.

ACCAGCGACGCTGGAACAGTGTATTGTGGGATATGTTCAAGTGTGAACAGGCTCCCAGG
GCACGGCTGTACTTTGGAGGTTATGCTGGGGTACAGAAAGTTAGGCTGGGGCAGGGCCAT
CCACCTAGGAGGGCCAGCACAGTCTGGGCAACCACCCGGCGGGCGGTTTGTCTACAG
CCCCACCGCGCCGGGCAGCGTCTGCAGCTGCTGCGTGCGAGACCCAGAGGCTCCGGTCAG
CGCGCCGGCCGAGGGAGTGCGAGCACTTGTGAGCCCCGCGCGGGCCGGTGAAGTCTGG
TGCTGCCGAGCCGCTTAGAAAGCACGGCCGCGCGCTGTCGGACGCAGGCCACAGGCC
AGCCGAGCCAGGCAGCAATTTCTTACCCCGCCGCGCTTGCCAAGGCGACCGCCGCCGA
ATGTTCCCGCCGGGCTCCGCCCCCGGCAATCGGACCGGCGCTCGGTGAAGCCGAGA
TTCTCTTTGTTCCGAGCCATTTAGGCCCCGACAGGAGGCAAGTCCGCTTCCGGCCGAA
GGCCCCGAGCGCCGAGGCGTCTGGGATGGTGTGGACCGGGTAGGTGGCGTGAGGGTGCG
>EP73745 (+) Hs KPNB3; range -499 to 100.

GGCCCCCTCTCCCCGGCCAGGCTCAGGCCCTTGCCGCGGCGGGCCCGCGGCGGGCT
CCTCCCGCTGTCCCCGCGACGACGCCCTGGCCCCAGCCAGGCCTCGACCTCGACCTCAA
CCCCGACCCGACCCGATCCAGCCCTGGCCCGGCTGCGAAGCCGCCAGCCTACCCAAC
CGGCGTACAGCCGGCGGCCCCGATGCGCGGCCACTGACGGCACCGCAGGGTGCCTGGCC
AATCAGCGCGGCCCCGAGGAGGCGTCTCGGCCCGCCCCCTGCGCCAAGGCCAGTG
AGGCGCCGGCGCGCGGCGGCGGCGGGGTGAGAGGCCGCGAGGCCCGCCCCGCTCTCC
CCTTTCCCTTTGCCCCGCCCTTCCGCGCGGCCCCCGCAAGCCCCGCGCGCGCTGG
TGCCGGTCCCGCGCTGGGCCCGCCCCGCCCCCTCCGCGGCGCGAGCGCGCCTCACG
GTCCTGTCTCCCTCCCTCTTCTCTCACGCCTAGCGCAATGGCGGCGGCGCGGCG
GAGCAGCAACAGTTCTACCTGCTCTGGGAAACCTGCTCAGCCCCGACAATGTGGTCCGG
>EP73746 (+) Hs MCM3; range -499 to 100.

GATTTGGATATATCTTAAAAATGATTTGCTTTTATGTTTTCATCTCCCTGCGTTATAAG

CACCATCCTCTGAATTTGGTCTGTTGCATCGGGTCAAAAGTTCTGCAGCTTGAAAAACCCCT
GCAAAAACATCCGGAAGGAGGAGAACACTACAACCTCCAGAACGCAATGCTTTCCCTC
TCGCCAGCCTGTCCCTCCAGCTGCTCAATGACCAGCCTCTGTGAGCCTCCTCTCAGCCC
TATTGGTCAGTTTGCTCGTCAGTGAGTGAGGCGGAGGGAGGGAACAGAGAATCCCG
GATGGTACGTTTCCCGCCACCGCGGGGCGCGCAGCGGAAAACCCGAAGAAGAAGAAGCTT
TTGATTGGACAGTCGCTAGTCCGACCTCAGAGAACTCAGCCAATCATAATGCTTATATGC
TCCCAAGGTCCCGCCTCTTCTCGAGGTAACCTTTGGTGGCGGGAAGAGTTCGGAAGTT
TTCGCGCCGGGGTGGAGTCATCTGGGAACCTCCACGCGACTTTGGTGGAGGTAGTTCTT
TGGCAGCGGGCATGGCGGGTACCGTGGTGTGGACGATGTGGAGCTGCGGGAGGCTCAGA
>EP73747 (+) Hs MIF; range -499 to 100.

ATTCGCAGGGGCGAGTCCCCCTCTCACTGCCGCGATGACTACCCCGCCCCATCTCAAACA
CACAAGCTCACGCATGCGGGACTGGAGCCCTTGAGGACATGTGGCCCAAAGACAGGAGGT
ACAGGGGCTCAGTGCGTGCACTGGAATGAACTGGGCTTCATCTCTGGAAGGGTAAGGGGC
CATCTTCCGGTTTACCGCCGCATCCCCACCCCGGCACAGCGCCTCTGGCGACTAACA
TCGGTGACTTAGTGAAAGGACTAAGAAAGACCCGAGGCGAGGCGGAACAGGCCGATTTC
TAGCCGCCAAGTGGAGAACAGGTTGGAGCGGTGCGCCGGGCTTAGCGGCGGTTGCTGGAG
GAACGGCGGAGTCGCCAGGGTCTGCCCTGCGGGGGTTCGAGCGAGGCGAGGCGGTGAC
TTCCCCACTCGGGGCGGAGCCGACCTCGCGGGGGCGGGGCTGGCGCGCGGCGGTGGCG
TCACAAAAGGCGGGACACAGTGGTGTCCGAGAAGTCAGGCACGTAGCTCAGCGGCGGCC
GCGGCGCGTGCCTCTGTGCCTCTGCGCGGGTCTCTGGTCTTCTGCCATCATGCCGATG
>EP73748 (+) Hs NDUFA2; range -499 to 100.

NN
NNNNNNNNCTAAGAAGCGTCACACATACACACACACACACACACACACACACACACAC
CCGGCTTAAGCTCAGAAGCTACAATAATGCGCCAAGTGCCCAAGTGCCATGGGGAAGAA
ATAACGGATGGCCTGAGCCTTACTATCTCGCTCCGGCATTGTTATCGTTCTTTTCGCTG
TCACCAACAATCGAGTCTCAACAGCAACACCGCAGCGACAAGCTCTTTCCACAGTGCA
CCTCAGAATCAACCCACACTGCTTTGCGTTTCGAGCCTTTCCGCTTCTGTTTTCCCTC
CGACCAACCCCGAGCGCAAAGAAATTGACCTCGCAGCGGTCTACAATGCTTTTATATCA
TTGGCCAAGCTTTACCCCGCCCTGCCTCATGCAGCCTATGGGCTAGGCTTTAGGGTCCG
CGGTTGGTCAGACCGGGGCACTTGGCCTGAAGACCTGGAATTGGCGACTTCGATATTAAC
AAGGATGGCGGGCGCCGAGCAAGTCGAGGAGTCGGGGCAAAGCTGGGCTGCGTGAGAT
>EP73749 (+) Hs NDUFA4; range -499 to 100.

CGGCAAGAGGCCGACCTGCCCTCCAGGCGCCCGCGCTCGGCTCCAGAGGCGCCGCGC
AGCTCCCTCAGCGGCGAGTCACAGCTGGCCAGCGCGCACCCGGCACGCGCGCCCCAGGGC
CTCTGCGCGCGGACCCGGCTCTCAGGCGCGCGGGAGAGGCCCCCTACTCACGGAGCGCG
CGGCCCCGTGCGCCACGCTCCGACCGCATTCTCAGTACGTGGCACCTTGGAAGTGCC
TGTCTGGTCAATCGAAGAGTCTCGTTTCGACCAAAAAAATTCCCCTCAGAAATATGCAT
GGCAGGCAATGAAGGCATTTCACTATGAAGTGGAATGATGATGGTCCGACCAGGTCAGG
ACGAACATATGAGGGGTTAGATCTAAGCAGGCACTATTAAGACAGTCGCATCCGGGCCC
TCCTGCCGAAGCTGCCCTCCAGCCAAGGGTCTTCAGGTAGGAGGTCCTGGGTGACTT
TGGAAGTCCGTAGTGTCTCATTGCAGATAATTTTTAGCTTAGGGCCTGGTGGCTAGGTG
GTTCTCTCCTTTCCAGTCGGAGACCTCTGCCGCAAACATGCTCCGCCAGATCATCGGTCA
>EP73750 (+) Hs NDUFA6; range -499 to 100.

TGGCCCTGCAGAAAGCCGCCAGGCGGCAGGACAAGCCCCACCGCAGCCAGGCGCCATTA
TCTGCCTCAGCAGTTACCTCGGGGTCCCGCCACGAGGAGGTTCTTCAAGGCTGCGCGCC
CACGGACACTACCAAGGAGCGCGCGGGGAGCGCGGATAGCAGGACGCTGAGGGAAACCCC
GCAGTCGCTCGGCGTCCCCGGCGCCAGCTCACGACCCAGCGACCTCTGCGGCCCGAGCG
TCCCCTGGCGCAACGCCGGCTCGTTAGAGCGAGCGACAGATGGTGTAGTCCAAAGGCCA
AGCGGCGTTTTCTGATAGTCAGTCAGCGAGCACCCACCGTTTCGTCAGCCAGAGAGAGGC
TTCCAGGCCAATCCGAGAGCCTCAGAGTCATCCTCCCGCCACCGCATACAGGCGGGG
CGTTCTCCTTAGCCAATGGGAAAAGACATTGCCCCGGGTCCGCACGCGCTGCTTGCAA
AGGGGTGGGGTTGTGGAGTGGATGCTTTGGCAAGATGGCGGGGAGCGGCGTCCGCCAAGC
TACTTCTACCGCCAGCACCTTCGTGAAGCCCATTTTCAGTCGGGACATGAACGAGGCCAA
>EP73751 (+) Hs NDUFB6; range -499 to 100.

GAAAGCATGAATTCATCTATGCAATTTTGCTAGATATTAAGCTACTCTTTTCACTATTCC
TGACAGATGGAGGGACAGATGAGACAGCTGCCAGGGCACTTCAGCAGTTACTGGCATA
GCTGGGATTTGAACTGGGATGTAACATTTTCATACACTCTCTAGGTCAATCCAAGGTGG
GAGAGGCAAGCAAATAATTTGAATCTGGCCAGCATATTCAGTGAACATTTATGCTTAT
CCTTCTCCTCCAGCATACAAGTTCTTCTTAGCAAAACCTCCAGTCTCTAATTTAGC
ATACTTTCTGCTAATCTGTCACTTTCTCAGGCCCCACAACCTACGAGTACTCCTTGTC
CACCCGGTCTAATTTGGTCGGGTATAGCGGAGGTGGGCGTAGAGAGAACTGGAGGTGGA
GACCTTTGTGCATGCCACACACTGCTTCTCGCGAGGAATCTGGGGCCCTTGCAAGG
CGGAACCAGGATGTGACGTAATAACCGCGCGCGGCGCTCGGCGTTCCCGCAAGGTGCTT
TGCAGAGCGGGAGCGCGCTTAAGTAAGTCCGTAGTTCGAGGGTGCCTGTCCTTT
>EP73752 (+) Hs NDUFS4; range -499 to 100.

CGTTTGGAAAATACGAACATTACTACTACAGAATATCAAACCTGAATACAGCCCTGTCCTG
AGGGCTTGCAAAGTGAATCTGGCAATACCTTTGGAAAAGTACTACTGCAGGTTCTCAAGGA
CCCAAAGAGCTCTCCAGCTTTTCCAGTGGGTTTCCAGCCCCAAATATCCTAATTTCTTCAAT
AAATTACGAGTTGCAGGTGTTTAAATATGCAAGTATATTTTGGTCTTTTCGTTATCATTG
TAAACACCAGTCTAACAAGCAGTAAAGATTACACTTTATGGTGGTAATATTTACAGTT
AATGCACTTCTGCATTTCTTCCCGCACATTTTCTTCTTACTTATTTAACTAAGCGTTT
CCCCTCTTTTTTAAAGCCCCAGTATTAAGAAAATAAAATCCCAAAGAATTTTCGAAC
ATTGCGATTGCACTGGCTTGAGAACGAAGGAAGTTAGTCCCTTGCGGTGATCCGTCCTTT
CATCCTGGCGTTTGCTGCAAGATGGCGGCGGTGTCAATGTCAAGTGGTACTGAGGCA
GACGTTGTGGCGGAGAAGGGCAGTGGCTGTAGCTGCCCTTTCCGTTTCCAGGGTTCCGAC
>EP73753 (+) Hs NDUFS8; range -499 to 100.

CAGGTGGATCAGGCGGCCGCACACCGCAGCTCTACGGCCCGGAACGTTACTAAATACTC
CCATGCCTCAGCTTCCCGCCTTAACGTGGTAACACGTTACTGTAGTTTCTCCACGCAGAG
CTGCTGTGAGGATTAAGAGAGGCCGCGTGAGTTGAGCATCTCGTCGCCATTACCGTCATC
ACACGCCCCCACCACCCGGCGGGGCCACCCCTCTGCACCCACGGCGAAAGCACTCTTT
CTAAACCACGCCCGGATGTCCCGCTCCAGCGGCTCGGAGGTCTTCACTTATTGGCCTC
CCCAAACCAACATGGCGAGCCCCCTACAAACTTCAAGCGCGGTCTCTCCTAGCCAATCAA
AAGAAAGATATTTCTGAATCCCGCCTCTTTCAGCAGCCTTGCTGGCCAATCAGACCACAC
CATGAAGCATCAATACAGAAAAGGGGAACCCGCTGGCCCAATGGCAGCGTCTACAGTG
TAGCCTCCGCTCCCGATTGACTGGCCTGCTTGGCAAGGCAAGTAGCGGCGGCGCTTCAA
GGTGGGTGTTACGTTTTGGCCGTGAAAGTGGGCTTGGGCAGCGTGGCGTGGGGGCGA
>EP73754 (+) Hs ORC4L; range -499 to 100.

CTTCCCCCACCCTGAATTCAAGGTTGAAGTGGGGTAGAATTAGTGTCTGTCCCTT
TAAAAATAGAAATAAAGGTGCCCCCTCTGCCACTGCCTCTCTCTCATCATCAGCTG
CTGCTGTCTGGGGTCTCTCTGCTTGGGGGGGAGGGGGGGTTCGGGTAGAAGAGACGGG
AGGCACTCACTGCGCATGTCCCTCTCTGACGGGTGGCTGGTTGGTTGAAGGCAGGAGGAG
GGGAGAGGGAGGAAATGAGCTATTTTCCAGAAGGCGTCGAGGCGCTAGCGACCCGGAAG
ACATTGTAGCGGGAGGTACAGGAGCGGGGGCGGGGAGGAGGAGGAAGTCGCTACGCTTTT
AACACCCCCAGCTCCCTCTCTCTTCTTAAGGGAAGTGGAGGAACGGAAGTGGGCGTGGA
CGGAGACGAAAGGAGGTACGTGTTTGGGCGGGAGAGGGGCGGGGTGGGAGAGGTAGTGC
GTGCGCGGGGCATGCCGGGAGTGGTTGTGTACGGTCCGCAGCGGCAGGTGAAGTCTAGCA
GAGGACGCGGCCAGGCGATTCCGTGAAGCGATTCTGCAGGCGTTGGTTCCCTCTTTGA
>EP73755 (+) Hs PLEK; range -499 to 100.

CGTGAGCTACCATGCTGGCCGATGTGCAGACTAATTTAGTTTAAATAAGTAGGCTGAG
AAACACTTGATACAGGGCTTGGCATAGAGAGAAGTAGGCATTTCATTTAGTAGTTAACTTT
GTTATGCTAACCAGATGGTTCTGAATTTCTTGGCATTTTTATTGGGCATTTCCAGGATCT
CAAGAATAATCCTTACTCAGGACAATTTTACCAACAAGTTTTTCTTGTTCATCTTCCTC
TTCCTTTTCATCACTTCTTTTTCTTTTAAAGAGGGATTTTCTGTATGGTAGTAAGAATT
TCCCTTAGGTAAATATTCAACCCAACTGTGGTTTTAATAAGTCTCCAGCATTAGCAAGGA
ATGGGTGGTTTACTCTGCAGTTCCTTATTCTGATCTTCCAACCCAGTGAGGGGAAGAGGA
TGTGATCATGCGACCGCCAGCAGAAGGGAAATTGTGAAAGCGACCTGCTGTAGAAAAGGC
GGCCACAGCCACCTCAGCATGCAGAGGAGGCCAGCTGCTGAGAGGAGTTGCCTGAGAG
TGACCTTTGCATCTGCCTGTCCAGCCAGCATGGAACCAAAGCGGATCAGAGAGGGCTACC
>EP73756 (+) Hs HADHB; range -499 to 100.

GGCAGCGAAAGGGAGACGCGGCTCCGGGGCCACCCAGTCCCGGCAGGAGTTCTGCCCGG
AGGTCTGGGATGCCCTCGGCCAGGCCTCACCTCGGGAGCGGAGGATCTGAAGGCAGAAA
AGCGGCTGAGGATGCCAATCGCCCGCAGGCCACCATCTTGAGCTGAAGAGGACAGCAGT
GGAGAGCGCTCTAACGGGTGCGGCCGAGCGGAGGACTTTTCTCCCGTAGCCTGGCAGCC
AGGCGCCTGGAGCACTGCCGACTAAACCCAGATGCCGAGTGGCCCGCGCCCCCTTAGC
CCTGCCCCCTCGCTCCTGCTAACATGGCCGAAAGTCTGATTCTCCGGGGGAGGACGGGG
GCCCCGAGAGGAGGGGGTGGAGTGCCTGGTTTTCCAGTCAGGCGGCGGAGGGCAGCCCT
CAAGAACGGCCCTGACCGCCCGCGGGGTGAGGGGCCCTTTCTGGGCAGGACCCGCCCTT
GGTCCCGCAGAGCCTTGGTACTTGGACCTGAACCTTGCTCCGAGAGGGAGTCTCGCGGA
CGTCAGCCAAGGTGAGACGGCGAGCCCTCAGCTCTCCGCCCGGGCTTTCCCAAAGGCGAG
>EP73757 (+) Hs HSD3B2; range -499 to 100.

TTGAGGTTTTGGATATATTGGGTGGAAGAAAGTACCTCACATAAACTTAGTGATTG
GAGCTGTCAACATTGAAAATTTCTAAACTTTGCAAGACAGCAGTGACGTTTCAAATGACA
CTCTCAGAGAGTTGATAATGGGCTAAAATAGATCTCCCTCCAGGTGGATTTACTGTACAA
GGACAACATTTACATTGCACTTGGAGACTTCTCCAGTTTGGTTTAAAGTTACAGATTGC
AGATCCCAGACAGCTGGTATCAACTGACCAAGTGTCTGTAAAGGCTAAAGCCAAGACTCT
TTATCACACTGTGGCCTTAAGATTGGATTTCTCTTCTGTTCTGGGAAGAATTAGAGAT
ATAACCTAAAGTCACTATTATTCTGAGAAAAGGGATTCTGGAGGAGGAGGGAGCAATGA
GTATGTGGCAGGAGTTCAAGTAATAAGGGCTGAGACACAAGCCACAGAGCATAAAGCTC
CAGTCCTTCTCCAGGGATGAGGCAGTAAGGACTTGGACTCCTCTGTCCAGCTTTTAAACA
ATCTAAGTTACGGTTAGAGCTTCTCCTTTCTTTCAACTACTCCTGGCAGTTGTGGGGT

>EP73758 (+) Hs HDAC2; range -499 to 100.

AAACGAGAAAACTAGGCTACCAAGCACTGGGGCGATGGGCCACAGCCCGCGGGGTAGTG
GGCCCGGAAGGGGCGCGGGAGTGGGCTCTCCCGCCGGGCTCGCGGCACGTGGTCGGCTT
GGGCGGGAGCTTCGCGACAGTGGGGAGGGGAGCAGCGTGGGACGCCGAGGAGGGGTCCA
GACCGCAAGGTACGAGGCGCCGACTGCGCAGGCTCGGGGACAGGCGCAACCACTGCGC
GCAGACCTGAGGGGAGAACGTCCACCCGGCTGCACGCTCCCTGGATCTACTTGCAGCAGC
GAAAGCTTGTCTTCTTCTCATTTTAACTGTGTATGGCGCCGCTTGCAGAGTTGTT
CACCTAACAGGGCCTCTAACCTCGAGCCGAAACGGCTCCTTCTCCAGCCGTGCCCCCT
TCCTCCCCCGTGGAGGCCGAGTGGATGCGCTCACCTCCCTGCGGCCCTCTGAGGTGGTT
TGGTGGCCCCCTCTCGCGAGTTGGTGCCGCTGCCACCTCCGATTCCGAGCTTTCGGCAC
CTCTGCCGGGTGGTACCGAGCCTTCCCGGCCCCCCCTCTCTCTCCACCGGCCTGCC

>EP73759 (+) Hs NME1; range -499 to 100.

TTTCTTCACAGCACTTACAAAATGCGATCTATTACATATTAATTTGCTTATTTGCTTCTT
GTTTTCTATACTCCCATCCCTCCAGAAAGCTCCAAGAGAGCATACTGTTTTATCCCTAG
GGCCTAGAATAATGCGTCCACGTAGTAGTACTCAAATTTTTTGTGTTGACAGGCTAGAA
AAGGTGAATAAACACAAAGCGGGAGCGAAAAGTCTACTTCTAGGTACAGCACTCTTTGGA
CTTCACGCAACGTGTGAGCGCCACCTCTCGGGAAGCCAAATTTGCTCGCAACGAAGGAAG
TGAGTCAGAGAAACCGGGGTGGAGAGAAAGCAAGCAGCTAACCGGAAAGGTCTGAA
AAAGCTAGCGCCGGAAGTTAACTGCAGAAAGTTGTTCCCTAGAATGACTGCCTACTCCC
AAGAGGAAGCGTGGGCGAGCGGTGTTCTGCAAAATGGGCTCTCCGGCAGCGGATCTGCGC
AGAAGCGTTCGCTGCGTGCAAGTGTGCGAACCACGTGGGTCCCGGCCGCGTTTCGGGTG
CTGGCGGCTGCGACCGGAGTTCAAACCTAAGCAGCTGGAAGGGTAAGAGGTGTTCCGGAT

>EP73760 (+) Hs AHS1; range -499 to 100.

AAGGGAATAATCGTAGGGCGAGAGAAAACACGAATAACGAGACCGCAGGGCATGCTGGA
AGTCGTAGTTTCTTCTGCCTCTGCTGTGAGCGCTGTCCCGACGAACCACAAGGCTTCTT
GACTACAGCCCCAGAAACCCCAAGCACCGTGCTAGGTCAATTCCTCTCTTTCCGCGAG
ACCTTCCGCGGTTATCCAGCGAGTACGTAGCAAGACTACAATCCCATGAGGCTCAGCA
AGGGCGATTTAGGGTCCAGGGAAGCAATGAGACGTGTTCTTTGTTTTCTATGGGTGAGG
AATGGTTGTATGAGCAGTTGGGTTTCGGGACGCTTTTGGGGAGAACCCGATGGAGTCTG
AAGGATCTCTAAATCAGGCGGAACCCACGGTGCGGCGAGTTGGGACGGAAGTAACCGGTG
GGAGTGGGGAGGAGCCGGAAGTTAAGGAGGGGAGGGGGTGGAGGAAAAGCAAGCCAGGA
GGTGCTTGCGGCCGCTTCTAGTAGTTTCCAGGCGCTGCCGGGCGGCTGGCACTAAGCGGT
CCTGAGGCTGTGGCTACGGCTGCTCCGAGCTGGTGGCGCCGCGATAGGAGAGCCGATGG

>EP73761 (+) Hs TGFBI1; range -499 to 100.

GTCAGGGTCTCCGATGGGAGGGTCTCCGAACCTGAGGTCTAATTGAGCCTTAGAATATCA
CTCCTGCTACCAATCAAAAATTCCGTCTGGGACAAGTCTCCAGGAATGGCATGGGTGG
GAGGGAGGCTCTTGCTAGGACTCAGGCGTAGCTTTGAGCGGTGTCTGTTTGGGGCCT
CAGTCCGTGTCTGTAAGTCTCCCTAGGGAGCGGCTCTGGGGCTTGGTCTGGAGAAGCCAC
TTCTCTCTGGCTCTGGCTCTCTGGGCTCCCTGCAGCTGAGGCCAAGGCTGGGGTGTGGC
CGCCTCCGCGGAGGCGCGGGCTGGGCTCGGGTGGGCGGGGCGCTCCCTCTTTCCA
CGCCCCACCTCGGGTTCCCCCGTTTCATCGCCCCCATCCCCATCTCAGCGGGTCCCGG
CTTCCTTACATGGTCACGGCCGGGCTTCCAGCTCCCGGACGTCCCCGCCCCCGCCCC
ACCGGACACGGCCCCCGCCCTGTTCCGCCCCGCGCCACCGCCCCGCGCCCCGCCATGGAGG
ACCTGGGTGAGTGGGGCCGGATCCCCGGGTCCGTGGCCCCCTCACCGCTGCCAGAGCTGC

>EP73762 (+) Hs C3ORF4; range -499 to 100.

TGCTCTGCTCCAATGGGAGGGATTCTGGGAGAGGGAAATAAAATGGGTCAACGTTTCACA
AGTAGAATCCATTTTTGTTTCACTTATACTTAGATCTAGAGGCAGGGTGGTGTGATAGGG
AAAGCACAGGCCTAAAAGTCAGATCTAAGTTATACAAGTCACGGTCATTGACTCGAGATG
ACCGGAACACAGGCCCGCTTACTTTCTGGACATTCTCCCTTCTCCCTAAAATGCAAGA
ATCCAACAGCCTAGACTTCCCTTCTGCGTACCGGCTTGCCCTGAGGAGCTGAACATACATC
TCCCACAATGCGCCGCGCGCGGCCAGGAATGCCTATCGCCGCTCAGACAGCTTTCAG
TCTGTCCCTCTACAACCTCCCAAGGCCCTCGGCCCGGGCGCGGCCCGGCCGGAG
TGGGGGCGGGCGGAGGCGCGGGAGTTATGGAGGGGCGGGCTCTGCAGGGAAGTGCGTCA
GAGGAGGCGCGGGGAGAGTAGGGTGTGTGGTCTGAGCTAGAGGGTGAAGCTGGCGGAGC
AGGAGGATGGGCGGTGAGTGAGCGGGACCTGCGTCGCCGGGCGAGGGTGCCTGCGGGTT

>EP73763 (+) Hs TACSTD1; range -499 to 100.

TCTTTTTTTTTTCTTTCTAATTTCAAAGGAGTATAATTAATTTGCCAGGTAAAAGCTCAA
AGGTCTTTTTTATAGTGTTCTGGAAGGTTCTCTGCCTGTGTTTGTATTTCTTTAGCCTC
CACGTTCTCTATCCAGTTCCCGCACCTTCCCCCAGGCCCATTTCTCAAGGCTTCAG
AGCAGCGCTCTCCGGTAAAAGGAAGTCTCAGCACAGAATCTTCAAACCTCCTCGGAGG
CCACCAAAGATCCCTAACGCCCATGGAGACGAAGCACCTGGGGCGGGGCGGAGCGGGG
CGCGCGGGCCACACCTGTGGAGAGGGCCGCGCCCAACTGCAGCGCCGGGGCTGGGGGA
GGGGAGCCTACTCACTCCCCAACTCCCGGGCGGTGACTCATCAACGAGCACCAGCGGCC
AGAGGTGAGCAGTCCCGGAAGGGGCCGAGAGGCGGGGCCGCGAGGTGCGGCAGGTGTGC
GCTCCGCCCCCGCGCGCACAGAGCGCTAGTCCTTCGGCGAGCGAGCACCTTCGACGCG

GTCCGGGGACCCCTCGTCGCTGTCCTCCCGACGCGGACCCGCGTGCCCCAGGCCTCGCG
>EP73764 (+) Hs RAD18; range -499 to 100.

AAGAAAAAGAAAAACCGTGCATTAATAATTTTAATATGAATAAAAGCAACAGCTCCCATTT
AAAGCCCAGAGGTCCTGTTTGAATCTGACTCGAACTCTATCCACTTTTTCGGGCGTAG
GCTTCTCTTGTTAACTGACAATGATAACATCTACCTCCAGTGTTGTGATACGGGAGA
CATAAAGTAATGGATATAAAAACTTCTGTTAGAGCAAGGACGGATAGTCACTGCGATTA
GGGTGGGCGACCCGGAGGGGGGTCATGAGCCTGGACCTTGACAGATCTGGTGAGGTCTGG
ATTTGGTTTGATTCTGGCTATCTTTCTTAATATTCAACTGGCTCTACGCTTTTAAACC
ATTCATTTCTTCAAGGTAAGTGCGGCAGAACCTGGCGCATGCGCAGTACAAGCCCTTA
AGCGGCGCCCCGCCACATACTACTACAACCTCCGGCAGGCTCCGCGCCCGCCTCTGGCG
CGTCGCGGGCTGCTGACGTAATGCGGTAGCGCGGGGAATTCGAGTGTTGGAGCGCC
GGAGGCTAGTGGGTGGCTGACCCCCAGCATCTCGGGAGCGACCATGGACTCCCTGGCCG

>EP73765 (+) Hs PKIA; range -499 to 100.

TGAATTAATACTTATTTAATTTTTTTCAGTTTTTCTAATTTCCCATATGTTAAATATTGG
TAGATTTATCCCTGGAGAATGAAAGCTAAGTGGGGTTCTTCATAATTTTGGAGCATGTAA
TAGATATCTGAGACCAAAACATTCAGAAATACTAATGTAGACCAAAACACTAAACACACA
GTAAACTACTCAAGGCTTTTAAACATACTTCCCATGATTTTCAAAAGTCAAAGTTGAGAA
GTTATATAATTGCATTTTGTAAATAGTGGAAAAAGGGGAATTTTCTTTCTTTCTTAC
TAAAAAGGAATCATAGTATTTCAGATTAAAGAGAAGTCTTCAGCGCATGCTGATGACATTC
TCTCCATTCTTCTCCAAGTCTGTGAGTCTCATTTTCATGTGTCCATTTACAGGAGTAA
AATTAGCATGTTACCCAGTCACCATTTGGCTCATGACTCAATGTCACTATAAAAAATCATT
TTAGCAACATCATAGGCCCAACTTCTAGAATCCATCGATGTGGAACACTTCAGTTTGTTC
AACGTAGGAGACGTAAGTACATGCTTTTCATAGCCTCTTGAAATCTGTCTAAATCTGTAA
>EP73766 (+) Hs TXNL2; range -499 to 100.

CCCCTGCTATAGCCAGGAACCTAACACCCAGGAGCCCCACAGTCAGGAACCCCGACAC
CCAGGGGTCCCAGAGCCAGGAACCCCGACACCCAGGGGTCCCAGAGCCAGGGGCCATT
ACGGCCAGGAGCCCCGACAGCCAGGGACCTCGACGGCCAGAATCCACTACATCCAGAAGC
CCTTATAACCGGGAACCTCCATAGCCAGGAGCCCCACAGCCAGGAGCCCCCTCAGCCAG
GGAGCCCCGAAAGCCAGGAGCCCCGACAGCCAGGAACCATAAACAGCCATGAACCCCGGGA
GCCAGGAGGCCCGCAGCGGAGTGCCAGACTTGGCAGGGTCAGAGCCCCCAGCGGGATC
CAGAGCCCCCGCCGAGGGCCCTTTTGGGATTTCTCAGGCTCGGCAGCCTCAGCGCAGGC
AGGGGCGGGGCTTCCCTCGCGCAGCCGCTCAGCTCCCCGTGGCCCCGCCACATCCGGC
CGCCGGCATGGATTGCTTCTGTCTGGCGCGGAGCATGGCGGGGGGGCGGCTGAGGC
AGCTGTAGCGGCGGTGGAGGCTCGGCTCAGCCGGGCAGTTTGAGGAGCTGCTGCGCCT
>EP73767 (+) Hs SOD2; range -499 to 100.

CCGTCTTCCCTAGGAACGGCCACGGGGCCCTGGGAGGGTATGAATGTCTTTTGCAGTG
AGGCCTCTGGACCCCGCGGCCCGGCGAGCGCAACCAAACTCAGGGGCAGGCGCCGCA
GCCGCTAGTGAGCCAGATCCCCGCCGCGACCTCAGGGGCGAGCCGAGGCAGGGCC
TTGGGGCGTACCAACTCCACGGGGGAGGGGCGCCTCCCTTCGGCCGCGGCCACTCA
AGTACGGCAGACAGGCAGCGAGGTTGCCGAGGCGAGGCTAGCCTGCAGCCTCCTTTCTC
CCGTGCCCTGGGCGCGGGGTGTACGGCAAGCGCGGGCGGGCGGGACAGGCACGCAGGGCA
CCCCCGGGGTGGGCGCGGGCGGGCGGGGCGGGGCGGGGCGGGGCGGGGCGGGGCGG
CGGTGCCCTTGCGGCGCAGCTGGGGTGCAGGCCCTGCTCCCCGCGCTTTCTTAAGGCCCG
CGGGCGGCGCAGGAGCGGCACTCGTGGCTGTGGTGGCTTCGGCAGCGGCTTCAGCAGATC
GGCGGCATCAGCGGTAGCACCAGCACTAGCAGCATGTTGAGCCGGGCAGTGTGCGGGTGA
>EP73768 (+) Hs STMN1; range -499 to 100.

GGCTCGGGCGTCTTAGGCACCCATGTGGGTGGCGCACTAGAAGGGGCACTGCTCTGTCCG
AGTGCTGCCCTTGGGGCGAGGCGGGCATGTGGCTCTACAAGGTGGAGTCCAGGCGGCCAA
AGTTTGAAAGGTAGGGAAGGACCCCCCGCCCTCCGCTGCTCCGCCCTGCCCTTGTTC
TCGAGAATGGGGAGCTGTTTGGACCTAGTCCGGGGTCCACTGCCACGCCCTCTTCACG
GCGAGACCACCCCTAGTCCAGGCCACACCTGGGGATGCTCCCCAGGCGCCCTGCAA
CCCCCGGCATTGTCTCTGCCCTCCGGGACAGGACTACACTTCCGAGGTGCTTCGGGG
TCCCGGGGGGCGGCGCTCCACGCGGGTTGTGGGGGGGGGGGCGGCACGTGCCGCGCTC
TCGGCCAATGCGGAGCCCCGCGCGGAGGTACGTGCCTCTGTTTGGCGCTTTTGTGCGCG
CCCGGGTCTGTTGGTGCTCAGAGTGTGGTCAGGCGGCTCGGACTGAGCAGGTGGGTGCGG
GGCTCGGAGGAGCGGCGGCTGGCTGAGGCCAGCAAGAGGGACGCGGTGCGCGGAGGGG
>EP73769 (+) Hs SEPT6; range -499 to 100.

AAGGCGCACCCATCTAAGCACCTTGGGATCTCGGTGGAAAGGAAGGGGGTAACGGGGG
CGGGAGGAGAACTGCAGAGCTCGGCCGCTGAGCAGAGTATGGGAGGGGGAGGGGCGGGG
GCTCCCTTCCAGCCTTCGGGGTCTGGGGACTTAGGGATGTAAAGGAGAGCAGGGGGTGT
GACAATTCAGCAGAGGTGGGACGTACCACGGAGCCAAGTGGCGGGGGGGGAGAGGACG
TGGTCACCGAGGGGAGCCCCCGCCCCCTTCGTAGAAGCCTATGGCTGGGGTTGCAGGAA
GAACTGGAATGGTCTGGCCATAGGGGGAAGCGGCGCGTTAAATCCGCCCCCTCTCCATA
CCCTACTTTCAAGGGGTGGGCGGTAGAGGGGAGGTTGGGGTTGGAGCAGCGGCGAGGGG
CCCCTCCCTTGACCTCCCCCACCGGACTTGGTCGCGCCCCGAAGTGTAAACATTTCTCT

TTGTCGGAGGAGCTCCTCTGTTTCTGTGACAGTAGCTCCCGTTGCGGCGGCACCCGTGGC
AGCCCTGGCGGACGCAGGAGCGATGGCAGCGACCGATATAGCTCGCCAGGTGGTAAGTGC
>EP73770 (+) Hs SSB; range -499 to 100.

TTTCACAGCAGGAGGACCATTATTTGAAGCAGGACGTCTGATTCCAGACACCCAGTTTTT
ACACGCTGTACTGTATTGTTTTCAAACCTAAGATTTTCATGGATCTTTGATTTTTTTTT
TAAATTTCACTTGTCTTTTTTTTTTTTTTGAAGTACTACAACACGATGTGTGTGTGA
TTCACACACATTTTTGAAAAATCTGAAAAAAACCCAAAGCACTTCACATGAATGGAG
GGCCAAAGGAAGGGCTGGGGTACAGACGCCGTCCAGAAATACTTAAAAATAAATGTTTAT
ACTAACACAAACTAGCAGCCATTCCCCTACAACCTGGAGTACTTTTTAACCCAATCTGTT
TGGGATTGAGGCGGGACTCCAGGGTCCCTGGGAGGCCCGGCAGCCGCGCATGCTCAGA
GCACAGGGACCGCTCCACCTCGTCCGTGGCCCTGCCACCCAGGCCGCAAGAGCTGCCGG
GACGGTCCCCATCTTCTGGAGCGCTTTAGGCTGGCCGGCGGCGCTGGGAGGTGGAGTCG
TTGCTGTTGCTGTTGTGAGCCTGTGGCGCGGCTTCTGTGGGCCGGAACCTTAAAGGTGA
>EP73771 (+) Hs SNX6; range -499 to 100.

GTGCCCCAAACTCTGAGGTAGTTATTACCTCGCCAGCGGTAAAAGCTTGATTATAGTCCC
TGATTACCGACTGTGTGAAGTCTTGTTCAGCAACTTCCATAGGCAAAATGATATTA
ATTGTGATTAAATTATCTGTGGCATAATACAAAGACCAGATGATGATTATGGCTTCCGG
AGGGCGCCTGCATCGTTTTCGCTGGAGCCCTCGGGGCAGGGGAAGTGGAGAGCTCCCTG
GGTGGCCTTTGGCCCTTCCCTGGTCAGAGCCCGCCAGCTGCGAGGTGCCCCAGCCATGA
GGTCTGGGTCTTCAGGCTCTCCCGACTTCGGTGCCTTGACCTTGGGCAGAAGGCCCTGTT
AACCTTCTCGCTCACGACTCGAGCGACCAGCGCGGGGACGGGGCGGGCGCTCCTTAG
GCCCCGCCCCCTCGCTCCGCCCCGCCCCGCTCCTGGCCGCGGCTCCTCCGGC
AGCAGGGAGATGCGCGCTGCGCCGGCCCTCGCTCGGAGCAGCCATGATGGTGGGTGTT
CTCCGCGGCGCCGAGTCCCGGGAGCGCGGTGGGGGCAGCGGGCGCGGGCGGGCGCGGG
>EP73772 (+) Hs FLJ13188; range -499 to 100.

ACCTTGAGCCCCATCACCAGACGGTAGGCGCCAAGAGAGCAAGAGTCAGCATGTTTTCTG
CTAACCAGAGATTAGCACGATGCCTGGTACAAAGTAGGCGCCAATAAATAGGTGAAGAA
AGAAAAAAATTAATAAAAGGAAGAGAGTGAGGGGAAAGGATGAATGAATGAAGACGTT
TGCAGAGGGGCTAGAAAGAAAGCACTCTGCAAGATTCTCCCTCCTGGTGGCATCAACTC
TCAGTTCAAGTCTATGTCAGCCCTTCTTGGCCAGACGATTGGCTACAGCAGGGAA
TGAAGAAAGAACAAAGTCTTTAAAAATGTTCAGAAGAAAGAGAAAACGGCAAGATAAAAG
AGAGAAAAAAAGAAAGAAAGGAACCACTCCTTCGGGCGGACTAAAAAGGGAAGCCCCA
GGAGGCGGTTGCTAAGGCGACCTTAGGGCAGAACGGCCCCAGCCCATTTGGTTGAGACG
CAGGAGCCAATTGAGAAGGCGCGATGTTGACGGGTCTTAAGATGGCTGCTGGGCGACCAC
TTCCTGACAGGTGAGTACGGCTTATGGAGGGTTGGTTACCCGCGGTTGCGGCTCCGGCA
>EP73773 (+) Hs RNF25; range -499 to 100.

CTCTTTCAACCTAGCCTCGCCCAACCAACCCTGCTCCTTTGAGTCTCCCCCAAGTTCCTG
CCACTCCCAGACTCCTCAGCACCCGCTCTCAGACCCCTGGCCCGTGCCTTCGAGGCC
AGAGCCCCCTCTCTACCCCCAGCCTAGGAGCTCCAAGCTCCTCAGGCCAAGGACGGATT
CCCTGGCGTTTAGCCCCATCTCTTGGCTGCCTGCATACGTTGCCTGACTTATAATTCT
TCTCCACCCGCTCTCCCTCCGGTCTCTTTCGGCTCCCTTCTTACAATTTTACTCGCTA
GAACTGGTGAGAAAGTTAGAGGACAAAGGCGCTCAGAGGTGTGAATGGACGGCGGACCA
CACATGGGCACTTCTGGGACACATCCGAAGTGCCTCAGGGCCATCAGGCCCCGCTAAGG
ACCCGGAGTCTGCGGTTGCCTAGAAACGACGCTAGCTGCCACCCCTCTAGTTTTCCGC
CTCCGACTTCCCTAAGGGCATTTCGGTTCCGGTGCGGGCCGGTGAAGATATGGCGGCG
TCTGCGTCTGCAGCTGCAGGGGAGGAGGACTGGTAACTTGGGGGCATGGGCTTTGGCTG
>EP73774 (+) Hs MLPH; range -499 to 100.

CTCTGCAGCAGAAAGCCCTGGGCTTAAAGTCTATTTATTATTTGGCGTTGCCACTTACT
GGTCGGTGGCTTTGGTAGGCGCGTTTCTGAGCCTCAGTTTCCCCATTTGTAAAGCCGAA
GTACATAGCGCTTTCCCTGCAGAGTTAGAAATTTGACGATGTGCCGCGCGCTCTAGAGC
GCGCTCAGCAAGCGGGTCCACCGTGCCCAAGGCAGGACCGCGGCGGATGTACCTATG
CAAAGTCGCCGCAACTCACGGGAATCGCAGCTGTGTGCTCAACTTTCCCTCCCCGCCG
CGTCTTTCTCCCCAACTGGCTTGGGGTTCGAGTATCCGGGGCTCTCCCCGCACTGGCG
CTTCCCGCGGGGCGCCCCAGGTGTCCGTTCCGTTCCGCCCTCTGCCTGGCAGGGCATCC
AGAGGTGTCCGCGCTCCCGAGCTGGGCGGAGCGGGGCGCAGCCACGTGGTTGGGCGG
GAGGCGCCGGGACGTGGCCAGTTGCCCGCTGCCCGGAGAGCCAGGCGCTAACCAGCCG
CTCTGCGCCCCGCGCCCTGCTTGCCCCATTATCCAGCCTTGCCCCGGCGCCCTGACCTG
>EP73775 (+) Hs FLJ23469; range -499 to 100.

AGAGAGGGCCAGGTTTTCGAACCGCAGACATGCCTCTACTCTAGGTAAGACCCCTCTCTCT
CTCTCCCGGCTCGGCGGTCTGCTCTGTGCAATGGGGCCGGCCGAGACGCCCTCTCTCCA
GCCAGAGTCTGAGCCTTCGGAGACCACCGCGGACTCCGCCCCGTGCGCCGCACTCACG
CCCTCTACGGCTCTCCATTGGCAGAACGACCTGCTGCCCCGCCCCACGGCGCCTTTGCG
AGCTAATCATTTTCTTGAGACTGACAGCCTTGCCGGCACCGCCCCCTGGGGCGGGAGC
AAAGCAGCTGCATATGCGGATTGGTTGAGAGGCAGGGGGCGGGGTAGTTGGTGAGCGCC
GATTGCGGGCAGAGGACGTGGCACATGCGGATTGGCCGGAGAGAGCGGCGAGGCAGAGCA

TGATGAGTGTCTGATTGGACGGCTGGGCCCAAGTGGGCGGAAAAACGGACGGTGCAGGGGGT
GGGCCACGTGTCCAGCCCTAACGAAACGGTAACCAGCCCTGGGAAGCCCGCAAGAGGCCCT
CAGCGGTGGCCGTCCGAGAGCCGAGAGGTGAGGGTGCCCCCGCTCACCTGCAGAGGGGC
>EP73776 (+) Hs PCNT1; range -499 to 100.
CAGCACAAGCCCGTTTACTGTCTGGGGTTTGGACAAGTGGCTGCGACGACACTAAGGTGG
AGACCGGGATGTAGCGAGGACTCCCAGAGTTGGGAGACGTTGTACGCTTACTGGGACCTA
AATCCCGCACGAGTTCCACCCAAGTGCCGCCGCCAGCCTACGCACGCGCATTTCGCAC
CGTCTCCAGCCCCGGGGTCTCTGCCCTCCCGCGTCTCCGGGGGCTTTTCTCCGCT
CGGCACCAGGGTGTCCCCGGCGCCGCTGATCCTGTTAGCGCGGTACTCTGAGTGCAGTC
AGTCTCTGGCGCTGTTTTCCCTGATTTGCTGTCGACGCCAGGAAGGAAGGACGCGTGCAG
AGGACCGCAGAGGGGTGGCCGTGGCTGAGAGGAGACAGCGCCGAGCACTGAGGGTTTGG
GCTTGAGGCGCTGCAGGAGACGCCAGGCGGAGTCTTGTCTCGCAGCCAGCTCTGAGCG
GGAGGCTGAGCGGGAAGCATTGGCGTCCGAGCGACTTCTAGGAGCCTGGGGTTCGGCGC
TATGGAGGAGCTCGATGGCGAGCCAACAGTCACTGTAAGGGTACCCCGAACAGGCTTGCT
>EP73777 (+) Hs FLJ20920; range -499 to 100.
AACCCCGCGGGGCCCTCTGCTCCAGCTGGCATGCCTCAAGGACGCTTCGCGCCTGCTCCT
TTGGCCCCCGGCTCGCAAGTAGCGGGGCGACGACGTGACCCGAGGGGGCAGGGGATGGAT
GGATCTTGACCTTGCCATCTGCCCCCTCACGGATGTGCTGCTGGCTCTCCTCTAGGAAA
TCAACAAATTTTTGCGCTTCTAACATCCAGGCCCTGAGGATGGTTCGCGAGGAAGATCTG
TTTCGGACTGCAGCTGGGGCTTCGGATCCAGAGGAAACCAGGGCTATTCTTCGAGGGTG
GGAGGGGGAGGGCGCGGGGTGCGAGGGGAAGGTGGCCCCGCGCGAAGTCGCCGCCGCCG
CGCCCCGCCCGCCCCGCCGGCGGAGACCGAATCCGCCGACCCCATAGGCAGAGGCCAC
CCTCCCCGCTCCCCGCCGCTGCGCGCCCCGCCCGCCCGGCTCACTTTAAAGTTTAC
TCGGGCCGGGACGACAGGGCAAAGCGAGCCATGGCTGTCTACGTCGGGATGCTGCGCCTGG
GGAGGCTGTGCGCGGGAGCTCGGGGTGCTGGGGGCCCGGGCCGCTCTCGGAGTT
>EP73778 (+) Hs RAB7; range -499 to 100.
CATATTGGCATCAGACAGATCTTGTTCAAACCTCGCTCCACCAGTTTCTGTGTTGAGC
TAGACCAAGTGACATGATATACTGAGTCTCAGTTCCTTATTTGTAAATGGTGATAATAA
TTTTTGGTTAAGTAATTAAGTAAGGATAAATGATGCCTTTCGAAGAAGGACACAACCTGG
AATGGCCAGTTTACCCCTTGTCCTTCCGTTGGCATTATTTATTCTGGAGTAAGGAGG
GATGGCTGAGGGAATCTGTCTGTGGGTCCAACATGGCGCCGCTCCTGCTCCTTGATGAGC
CTCAAAGATGGGGACAACCATTTGGGGGCGAGCATGTTTGTAGCACGAGATCCAGGCTCA
GTCCCCGAGGCGAGCGGAAGTGTGACGCAAGTTGAGGCGGGGCTCCTCCCCGACCCCTGG
CGTCGAGCGTCTCGTGACAGTACTTCCGCTCGGGGCGGCGCGGTGGCGGAAGTGGGAG
CGGGCCTGGAGTCTTGCCATAAAGCCTGAGGCGGCGGAGCGGCGGAGTTGGCGGCTTG
GAGAGCTCGGGAGAGTTCCCTGGAACCAAGAACTTGACCTTCTCGCTTCTGTCTCCGTT
>EP73779 (+) Hs MGC13204; range -499 to 100.
AAGCAGTGAGAAGGCCACGGCCAGGAGGTGGACGAGAAAAAATTGCACCCTGGCTCAG
ATTCTTCCCGTGTGACCCAAATCTCCACTCGTGGCCCGTGCCCTGCTGCTAGACGCCCTG
ACCTCCGCGCCCGGAGGCTTGCTCCCCGCTGTGCCAGGCCAGGCTGGGACTCCATT
GCTGCATCCCGCTCACCTCCAGACTGCAGTCGCCGCCGCGTTAGGCCGTAGCTCCGAAG
GCGGGCTCCGGGCTCCTCAAACCTGGGGGCGAGCCAGGGCCCCGACGGGGGCTCGCGC
CGGACCGGCCGGGTCCCCGGCGGTGCGGGCGGGGTGGGAACCCCGGGGGATCCCGGGAGG
GGAGGGGGTCCCGGGCCGGGGCCGGGGGTGGGGTCTGGCACCGGAGCTTTCAGTTTGTTC
CGCTGTTTGAATTTGGCGCCGGCGGAGCGTTAAGGTACGTGACGGAACGTGCGCAATCG
GCGCCGGCCTTGCTCGGCATTCCGGGCTCGAAGGCTGTGCGGTCTGCCAGGAGCTGCGG
CCCCGTCCGGCCCGGGTGGTAAGGCGGACCGCAGGCCGGCTTGTTGGGGGAAGAAGTGGC
>EP73780 (+) Hs MGC4251; range -499 to 100.
GCCATTGCACTCCAGCTAGGCGCAGAGTGAGACTCCGTCTCAAAAACAAAACAAAACA
AAAAAAAAGAAAAAAAGTTTCACAACTCTGAGGTAGGTGTAATTATCCCCATTTTCATG
ATGAGTCTCATAAAGTTTAGGTGATGTGCCCAGAATCACACAGGGTTGGAATCAGGATTA
GGGCCCTGATCGGGCTGCATTCAAAGACAGTTTGTCTCAATACATCATACTACGGTCCA
AGACTTCTGCTATCCTGAACCACTGTTCTTCTCTAGTCTAGTTTTCAAATTCGAGG
GACAAATATGGCCCTGAAGGCTCCATGAGCAGACGAGAAGGCTGGACTTCGCAACTGGGT
CACCTTAGATCCGGAAGTACAGAAATGACACCGTTGTTTCCGGGAGGAAAAAGAAAAAGCG
CTTGACCCGGAAGCTGCGTGTCCCATCCCCGCGCTGCTTCTCTGACTGGGGTGAGGCCG
CAGCGGACTGCCCTTTCCCAAGATGGCGTCAAGATAGGTTTCGAGACGGTGGATGTTGCA
GCTGATCATGAGTTGGGTTCGGTGCTGCTCACACGCTGCCCTTTTGGGGCTGCTTCAG
>EP73781 (+) Hs GSS; range -499 to 100.
CCTTTTGCCTCTAATGCTTCCCTGCTGGTATCCCAGGTTAAAAAAAATAGATAAAATC
AGGGGGATTTTTCTGGGACTTGGCTGGGCTGGGAAACAAGCCTGGGTTCTAATACAGGCT
CAGCCCTGACGTACTATGGGCCCTGCCCTCCTTGGGGCTCCATTACCACGGCCACC
CCCACCCTTATCAATTGTGTGCCCTGAGGTAGTGACTGTCCCGCTCTGAGCATTAGTTT
CCCCATCTTCCACTAGTCGTCTGCTGAGCTCTGACGCTCTATGAGCTATGCATACCCGTAGC
TCCCCGCCGACCCCGATGGTCCCCTCCCCTCCTTCCCAAGGTCCATCCGCCAGGGTGACG

CCGACGCACTCCTAATGCTAAGGCCGCCCTCTCATCGACCGCCCTTCTTGGCCTCGACT
CAGCGCCAAAGGTATGGGTCTCTGCCCCGCTGCTCTTTAAGCCTAGCCGGGGCGGTAG
CGCAAGCGCACTGGGTGCGATCGAGGCCCGCCCCCTGAGCCTGGGTAGCGGCGGAGGG
CCGGGAGAACCCTTCGCGGAGGAAAGGCGAACTAGTAGGTTGGGGCGGCCACGGCGGCCG
>EP73782 (+) Hs HADHA; range -499 to 100.
TTCCTTCCGCTCCCTCAACTCCCACTTTCCAGGGAGGGGAGGGGGCCGGGGCACCGGC
GACAGTTGCGGGGAAGGAAGTGAATCTCGCCTTTGGGAAAGCCCGGGCGGAGAGCTGAG
GGCTCGCCGTCTCACCTTGGCTGACGTCCGCGAGGACTCCCTCTCGGAGCAAGGTTCAAG
TCCAAGTACCAAGGCTCTGCGGGACCAAGGGGCGGGTCTGCCAGAAAGGGCCCCCTCAC
CCCGCGGGCGGTGAGGGCCGTCTTGAGGGCTGCCCTCCGGCCGCCTGACTGGAAAACCA
GGCACTCCACCCCTCTCTCCGGGCCCGCTCTCCCGGAGAATACGACCTTTCGGC
CATGTTAGCCAGGAGCGAGGGGAGGGGCTAAGGGGCGGGCGGCCACTCGGCATCTGGGTT
TTAGTCAGGCACTGCTCCAGGCGCCTGGCTGCCAGGCTACGGGAGAAAAGTCTCCGCTC
GGCCGCACCCGTTAGAGGCGCTCTCCACTGCTGTCTCTTCAGCTCAAGATGGTGGCCTG
CCGGGCGATTGGCATCTCAGCCGCTTTTCTGCCTTCAGGATCCTCCGCTCCCGAGGTGA
>EP73783 (+) Hs ICAM1; range -499 to 100.
GAGGATTCTGGGCCCCACCCAGGAGGGGCTCATCCACTCGATTAAAGAGGCCTGCG
TAAGCTGGAGAGGGAGGACTTGAGTTGCGACCCCTCGCAGCCTGGAGTCTCAGTTTACC
GCTTTGTGAAATGGACACAATAACAGTCTCCACTCTCCGGGGAAGTTGGCAGTATTTAAA
AGTACTTAATAAACCGCTTAGCGCGGTGTAGACCGTGATTCAAGCTTAGCCTGGCCGGGA
AACGGGAGGCGTGAGGGCCGGGAGCAGCCCCCGGGGTATCGCCCTGCCACCGCCGCCCG
ATTGCTTTAGCTTGAAATTCGGAGCTGAAGCGGCCAGCGAGGGAGGATGACCCTCTCG
GCCCGGGCACCTGTGCTCCGAAATAACTGCAGCATTTGTTCCGGAGGGGAAGGCGCG
AGGTTTCCGGGAAAGCAGCACCGCCCCCTTGCCCCCAGGTGGCTAGCGCTATAAAGGATC
ACGCGCCCCAGTCGACGCTGAGCTCTCTGCTACTCAGAGTTGCAACCTCAGCCTCGCTA
TGCTCTCCAGCAGCCCCCGGCCGCGCTGCCGCACTCCTGGTCTGCTCGGGGCTCTGT
>EP73784 (+) Hs MYL3; range -499 to 100.
GACACATGCTGACTTCCGCTTCCCCACATGGACACGGTCATAGACACAGACACAGACA
CAGGGGACTTTGGAGAGCTTAAGTTAGAGGTGCCCTTAGATCATCCAGTCCTTCTGGC
CCCAACACAACACGTAGCATGTACTTGGTCCACCTTCTTCACCTCTTCAACTTACGGAC
CTGCAGAGAGGCAGCAGGGCCCTGTGTGGGTATGTGCGGGTGTGCAGATGAGTGTGTGTG
TATGTGTGTATGTGTGTGTTAAGCAGTGGCCTTTGTCCCCCTCTCTCCCTCCCCCTTCCC
AACAGTGATTGGGAGGAATGGAGATCCCTCTCCACTCCATTCCCTGAGCTGAACAA
TGCCCTCCCCAGGCCCAAAATAGCCCTAAGCCTAGCCATATCTTTTATGGCCCTGTCT
CCTATTGTGCACTGCAGGGGTGGGGCTGGGGTGTGAGGTATCCGGGAGGATAAAGGCC
TGGGTGAGGCGGCTCACCTACCCTGCTTTCTGCATTCTTCTCTCCACATCCCTCTCTGTA
CTTACAGCCCCCAATGGCCCCCAAAAGCCAGAGCCCAAGAAGGATGATGCCAAGGCAGC
>EP73785 (+) Hs MKI67IP; range -499 to 100.
TTTATTTTAGACCTTTTTTGAAGTAGGCGTGAACGTAATTGTTTCAGGCACTCTTAAGC
GAAGCCAGCCGCGCCCCGACAGCCGAGGGTGCGGGAGCTCCCCACGGCCAGCCCCAGC
CCCAGACCCCGCTGCCGCGCCTCGGCACGCCCTGCGCCCCGCTCCGCGCCTCGGCGCT
ACTCACGCCCCGCCCTCCGCTCTGTCAGCCCCATGTGCGCCTCCGCGGACTCACG
CCTCTCCCAGTCTCTCGGCACGACCTCGTGCCCCGCCCTCGCCCCCTGGCGCAATTTATGC
CCCCCCCCGCGCCTCGCCACACCCCGTGCCCCGCCCGCTTCTCCGGGCAACTCTGCT
CCAACCCCGCGCCGACTCATGGCCCTCCCCGCCCTCGCCACGCCTCGCCTCGCCTTAG
CGCTTCGCCCCGCCCTGTCTGCCTCTACTTCCGCCTCGGGGAGCTGGGAGCCCCGACG
TTTCCGGGAGCGCCGCTGGTTAGCGTGGCGGCTTTTGGCATGGCGACTTTTCTGGCC
CGGCTGGGCCAATCCTGTCTGCTTAATCCGAGGAAGATGTCGAGTTTCAAAGGAGGTGG
>EP73786 (+) Hs RPL27; range -499 to 100.
CTCTTGCTACTGCTGGAGCTGTAATAAAGTTTCATTGCAATACTTGAGCTGCCGCGCC
CTGCGTTTCCCTCATGAGCTTCTTCCGCCCGCAACACGAGACTCAGCACCACACAATCAG
CGTGGCAAAGCCTGAAGGGCGGGACAGGAAGTGAGGTCACTCCTACCGGGGTGAAAGGT
TAGCGGAAGTGCTCTTCTTCTTTTGTGGTAGGGCCGGGTGGTTGCTGCCGGTAAGT
AGAAGCTTGGGTTGAATCTTCAATCCGCTGCCATCCGCGGCTTGGGGGTGCAAGGTCCG
GGCGGCGCCGGGTGCATTCTTCCCTAGGTCTCTGGCGGCTACGTATCCGATCCTGTCT
GCGAGCAGGGCCCTCGGGCGCCTTGACCAAGGCGACAGTGAACACAGTCTGAAGTTCCG
GCCAAGACCTGGGCTTGTGGCAGGAGTCACTCTGGGCATCTTTGGCTTTACGGATTT
TTAAGTGGCCCTTTCTCTTGTCTCTGCAAGAAATGGGCAAGTTCATGAAACCTGGGAAG
GTGGTGCTTGTCTGGCTGGACGCTACTCCGACGCAAAGCTGTATCGTGAAGGTATCA
>EP73787 (+) Hs PNN; range -499 to 100.
CCGTGTGAAAAAAAAAAATTAACCTAATAGAGGAAAGCACGCGCCACCCCTCTCTGA
GCATGCGCACCAACAGAATAGCCGCGCCCTTCTTAATTAAATCATTAAACCAAGGTGAGG
GTAAGGAAGAAAAGGAGGCTTGGCTAAGTCCCACTCTGATGTGATCACGTTAAACGGTG
TAAGGCACATTACATCATAGTTAAAGGCCTAGAAAACCCGCGCTCCCTTGCCAGAA
CTGCAGACTCGCGAGCCTAAGTCTCCGAGAACTCAGGGATTGTGAAACCCGCCCGACTC

TGCGCTAGCAGCGGGATCCAGGCACCCGACGCTAACTGGGGAGGGAGATGACTGCCTGGC
TGACTTTTTCATTGGCTCAGAGTCACAAAGGCTGCAGGTTCTTCCCCCTTCCGGTCGCTGA
GTGGTTGAGGCCGGAAGACAACGCTCATCGTCATTGGCTGAGCCCGGCTGTCAGTCCTTT
CGCGCCTCGGCGGCGGGCATAGCCCGGCTCGGCCTGTAAAGCAGTCTCAAGCTGCCGC
AGGGAGAAGATGGCGGTGCGCGTGAGAACTTTGCAGGAACAGCTGGAAAAGGCCAAAGAG
>EP73788 (+) Hs PSMD1; range -499 to 100.

TCATTATGATAATAAAGCACTTCTATGGGGATTTCTTTTTTTTATGATAGGTTTTGCTT
TAGAAAACAATTGAAAGCCACTTTTCTGGGAAAAAAAACAAAAAACAAAAAACGCTG
TTTGCGGCAGCCCCAATTCCTAAGCATTATCTGGTGGGAGATGTGTTGCAGCGAGACCT
CCCACCAGTAGGTGGCACTGCGCGCAATGCTCGCACCTCCCTCAACACCTTTCTCTCA
GCAATGGCGGGTGATGGTGGGGTCTCTCTTTGCAGGGCTGGCCATTCTAATGCCTGAC
CTCAGGTGCAGACCAGTGTCCGTTGCGCGGGACTCCTGACCTCGAGGAGGTTTAGAGAA
AACAAATGGTGTCTCTGTGTACCTTCCGCGAGGGCTGGGGAGTATACCGCCGCGCAGAA
GACGCAGGCCAGGGGAGAATTGCGCGCGGGCGGCAGGCGGGGTGGCGGCAGCCCCTGGG
CGGGCGGGGTCTGGCGAGAAGCGAGCGCGGCCTGAGGAGGCGACTGACTGAGCAGCG
CACCCGGGGAGCAAGGAGGCGCGGTGAAGTGAAGCGGCCCTGAGCTGACAGATACACTGC
>EP73789 (+) Hs PSMD8; range -499 to 100.

TACACATCTAGCTGTTAGTCTTTGGAAAGTTACCCAGCCTCTCAGTCTGTCTATAAAA
TGAGAATAACACAGCTCTCCAATGGCACGACACCCGCTACCTTTTGGCTTGAGACGCT
GCCCCGAAGGCGGAACCTCCAGGACAGCTACGTAGCGTCCCGAGCACTCAGACTGAAGCC
AGGGCAGCCATGTTCAATTATTGGAACCGTGAGGTGGGTAGGGGGGGTGGTGTGAGACAG
CTGTCATTTTAGTTAGGGCAAAAGCCAACTTCCGGTACCATCTTGAGTGACGACAGAG
GCGGAGCTCCAAGTACATGTTCAATTAAGGGCAGGGCTCCGAGGGCGCCACCTCGAGAGC
GACGGCGGGTACCCGGGGCGGGCTGAGGCAGGTTGTAGCCCCGCCCGGGCCTTGGGCT
CCACCTCTCGGCCCCACTTCCGCCGGGCAAGCGTTTGTAGGCGGCGCTGCCGTAATCAG
GCGGTCTGCTTGCCGCATACGCAAGATGGCGGCCGCGCGGTGAACGGGGCGGAGGCT
TCTCGAGCTCCGGGCGCGGCAACCTCGGGCGCTGTTCTGCAGGCCGCGACCGGCATGT
>EP73790 (+) Hs PSMD11; range -499 to 100.

GAGTCAAGCCTGGAAAGCGTGTGTGCGGCGCACAGGCGTCAGACACTGGAACGCATTCTGA
ATGGTGCTATTCTTTGCCACATAGCGAGCACTTTATAAGGTCACTTATCGTCCCGAATGA
ATGGTTAAATCGTGGAAGCCGCAAGAAAGCCACGCAGCTTTGACTCAATACCTAGCCCA
GTACTCAGGAACCCCTCTCAGGGGTGCGCGAGCGGGGCCGAATCAAGAAGCCTCTTTTG
GGGTGGGCGGGGACCGATCTAGAGCTCCCACTGCGGGGACCGCCTTTTCTCGCCGG
CCGCCCCGCTAGGAGGCGCTGGGGAGCTTGACGCCACCTGCGAGGCGGTCCCGCTCTCCC
CACCCCTCAGCCCGCGCCGCGGAGAGACTACAACCTCCCGGAGTGCTCTGGGAACGGAG
CCACGGGAGCTACAGGCGGAGGGACCCGAGGGCGGGCTTTCCGGGTGTGTGTTCCGGCG
TCGGCGGCCGCGGCCGGGACGGTGTGAGAGCGGTAAGATGGCGGCGGCGGGTGGTGG
AGTTCCAGAGAGCCAGTCTCTACTCAGCACCGACCGGGAGGCCTCCATCGACATCTCC
>EP73791 (+) Hs ZNF207; range -499 to 100.

GCTCTCTGAGGTCTACAGCACTTCGATTTCCCTCAACGCCGCACTGAGAACTCTGCAT
TGTGTACTCGTCTGTACCAATCTGCGAGTTACAAAGCAGAGACTAACTTATTTGGTTTA
GCATTTAATAGGCACATAATCAACATTTACTGTTCAATTGAAACAAAATTAAATTTGGGC
GCTGTCTCTATCTTTATTTGTGATCGGCCCTAACTGCACTGGCAATCTTTTCCGTTTTTT
TGTTTTCTGTTTTCCATTGCGATGCCCTTAGCGTACCTGGGGCTCCGGCTCCTTTACAA
ATGAAACCCAAAGTGCTCCGCAAGCACAGCCAGCGAAAGCGAAAACTCTGAAACGGACA
AGATGGCTGCCACCTCTTCGCGCCTCTTAGTCCCACCACTCAGGGCGGAGGTCTGCGTC
ATGTGACCTCCCTTCTTGCTCCGCCTCTACCGCAGTGCTTGACGGGAGGCGGAGCG
GGGAACGAGGCGCTCGGCCATTTGTGTCTGCTTCTGTGGGACGTGGTGGTAGCCGTTG
GGTTGGGAAAGTGAGGGATTTTGGCCTCGTTTCTCTGCTTCTTTCTCCTCCCTTTTA
>EP73792 (+) Hs SPOP; range -499 to 100.

ATGAGTTAATACATATAAGAGTCGTTGGTACTCCATAAACTGCTTGACAGACTAAATCGC
TGTTGTGAAATGCCTTTAACTGTTCCGTTGCCCACTCCGACCTTGCTGTGTACGCCTC
TATTTGGTCTCGACCTCGAGCGGGCTCCCGCGCCCTGCGCGGACCCCTCCAAGTT
CCCGCCTCTTTTACTCAGGCCCTCTTCTCTCAATCCCGGGCCCTGACTTGGCCC
CGAGACGATGCGCACTAGGAAAGATAGGCGGAGTCTTGAGGGAGGAGGAGCAGGGAAAC
CCAGGGAGGGGAGGGGAGGAGAAGGGAGTAATGGGGAGGAGGCCGCGCGGGGTGGGGTCT
GGCGGTACGCGTGGCTGCGTGCAGTGTGACGCCATGACGCCCGGCTGGTGTGTGTC
GGTGTGTATGTGTGTGTGAGTGTGCGCGCTCCGAGTGTGTGTATTGTGTATCGGC
GGTCCCGCAGGTCCCGGATGTTGCGGACAGTATGAGGCAAGCGCAGGGGGACGGGGACCA
GCAGCTGTGCGCCGCTCTCAGGTGAGTGGGGGAGGAGAGTGCAGGGAGGGGGTGTGTC
>EP73793 (+) Hs RPL14; range -499 to 100.

GCACATGCAAAACGTTAACTTTGTGGAATCTAGAAGGGTTTGTGGGAATTATTTGTA
AGTTTAGCAATATTTCTGTAAGTGTGAATTACTTGAAAAAGGTTAAACAAAGTTACT
GAGATTAGGAGAGAAGTGTGAGGAGCGAACAGACCTAGCCATGAATAACCAACAAATAAAA
CTCGAGGAAATAAAAGGAACTCAAATGGCATGCGACCAACGGAAGACATAGCTTCTGTA

CTCTTAACCCTAAATTACTAAGCGATGACCCTCTGCAGCTTTCTAATCCAAATCACCAA
AAACAATCTCGCGCCCAACTTTGCCAAAAAGCAACTTAACGCCAGCCGACTCCGCCATG
TTTTCCAGTGAGCTTGCGAGCGCGTGCGTACGCACGCACGCACGCACCAACCAAT
CGGTGCTCACGTCGGTGACTCGTTACCGCAGGGGCGGTGCGTTCTTCTACACATGCGCAG
GGTTGGGCGGGTCTTCTTCTTCTCGCCTAACGCCGCCAACATGGTGAGTCTTACTGTTG
CGGGCTCCGGGGCCGTCGACCATGCCGCTCGACCTCCACCTCCGCTGGGAAGCTGAGGCG
>EP73794 (+) Hs ATP5G3; range -499 to 100.

TCAGGCCCTCTTTCACCTGAAGGATTAGCCATACTTCTGGAACCATTTTCCAGGTTCTTT
GAAATAAATATCTTCGCTTTGCTGGGGACCCTAGTTTCTGTTAAGTAGTGAATGACCCT
TCTTTCTCCCGCCAGCCACAGTCTATTTACAGAGGAAGAGAATGACCAGCAAGTCAA
CTTCTACTACAGAGAAGCAGCAACTGATAAAAGGCCAAATCTTACAAGGTGCCAACGTGA
AGAAAAAGGCCCACTATCCTGCGACCAACTCATATCAAAAGTTAATCTGTTTAGTCCTCT
CTGCCGGGTGAATCTACAGTTTTTCTTTTGTCTCCCTCTTGCCCATCACCAGGTGGT
TGTCGTTGTCTTCCCGGCTAGTTGCCAATAAAGTTGTTACAAAGTGACCTTGAGTGTCT
TCCTTGGTGCACCCGAAACCCGCTTCTTCATCCGGGTGCTGCGGCGCAATAAGAGCC
GGACCGCGCTTGCGCATTGAGTCCCACTCCTTCGACCTTGCCGCAGCCCGTGCCGCCG
CGCTCTCTGGGAAGGTAAGTGGAGGGCACAGGGAGCCCGCCTGGCCAGGGCGGAGCGGC
>EP73795 (+) Hs SP100; range -499 to 100.

AGGACCTACCTTAGTCCAGTCCATGTCTCCCATGGGCCTGAGAGAAGATTTGAGGTTTC
TGGCTTTCCCTCCAACCTCCAACCTCCACCCCAAGCCATGTGAGCAAGGGGAAGGGGCA
AACATGGAGTTTCCCCCAACTCCCATGTAACTATGCCCCCTTTAGAGGGCAGAGCA
GCTAAGGACAATTTTGTTCAGGACATTTTTTTTGGCTGTGTATTGCACAAACAAGTGG
ACACCCGGGAGCTGGCCCTGCTCGTCCCTGGGCCCTCCTTCCCTGGTCTGCAGGTCTT
GCTGCTTGTGAGGCCTCTCTCCAACCTCTGCCACATTTAGAAAAGCTGAGAATCCCT
TGGAGTGAAAAAGGAGGAGAAACACAGTGTCCGTAGCCAGAGGAGTTAAATACTTTC
ACTTCTCTTTTCCCATTTGGGCGGAGCCCTTTCTGAGTCAGTCTGTGCGCCGACTTCCT
GCTTGGGGCCTGGGCAGCCACACTGCACGCAGGCTGGGCCGACTGAGGGGCTCAGAGGCC
AGGCTCTGAGGCCACGCAGGGCCTAGGGTGGGAAGATGGCAGGTGGGGGCGGCGACCTG
>EP73796 (+) Hs SRP54; range -499 to 100.

GCAGCATCACTGCCTGCCTCGCAGTGGGAAATTTACCTTGCTGGAGCAAGCCGCGCAGG
CACTGGCTGGCATTGCGCATGCGCAAGCAGAGACCGCCACCCCTCCGCGGAACAAGCCT
CCGGTCTGCAAAGCCCTAAGCCCCGCCCTCTACGGAGGTCTCACGTGCGCTGGGGATC
CCTGCCTTCAGTCACACTCTATCTCTCATCTTTCCGCTCTTAGCTGGGAGTGTCTCGCC
TAGTCACTTTTCTTAAGGTGGCTCGTCGAGGCCTGACTTCTTCCCGAAATCACGTCCCT
AGACAGCCTCTATTTTACCACTAACTTTACTCTGCAGTTATTAGCGGTAGGAAACTG
AAACCAAAAACCAAGTGAAGCAAGTAACATCTAACTGTTTCAGGAGCCGCTAGAAAGG
AACGCGGCGGTGTGCCCGGAAGCGGAAGTAGATTCTCCTATAGAAAGGCTGGACTACGC
GGAGTGGTGACGTTTCTCATTGGGCGGAAGGTTGCTGGCACTCCGTTGGTCTTCCAGC
TGGTGGGAGTTGACGAGTGGTGTGGGCGTTGGGACCCTACTTTATCTAGTTCGGGAAG
>EP73797 (+) Hs ATIC; range -499 to 100.

AAAAAAAAAAACAAAAAAACAAAAAAACCCAGAAAAACAAAAAAACAACAAACAAAAAGG
GAGGATGGTAGATAACTGTCCAGATACTTTCCAGCTTTGCCGCTATATGAATATTCTTT
TTGTTTAGTTTTAGCATGGGAGCTTCTGGCACTTTTACGTACTTTCCAGCTTCTGGGGA
CCGGCTGCCTAGAATAACAGGCATTTGCCCCAGAGGCCGTGGAGTGGCCTCACTTTGGGG
TCGTGGGCGAGATCGCTGGCTCCACGCCTGGACTTCGGGATCGCAGGCAGGATCCCTTCC
AGCCCAAGCACTCCGCCAGCGCGCCAGGCAGAGCCCCACCCATCCCGCGTTCCCTT
CAGCCCCGGGGCGCGGATCTTGATCTGAACTGAGCAGAGCAGGGCGCCGGGCAGGGCC
GGCGGGCCACGTGATAAGCCCGGAAACAGCTCCGCCCTCGCTTCTGAGCCGCCACAT
CCCGGCAGCCCTCTACCTGCGCAGCTGGTGCGGCGCTGCTGCCTCCCGCTCGCCCTGA
ACCCAGTGCCCTGCAGCCATGGCTCCCGGCAGCTCGGTGAGGCCCTAGCGGAGCGGCGCG
>EP73798 (+) Hs CIR; range -499 to 100.

TTCTTGAGAGCTGTCTGTCTTCTATTTACGCGCTCTTAGTTTCAGCCGGCGCTTTTACG
AAACATCATATTGTTGGATTCTCGAAGCATACTACGGTTAGGGCCGGAATTATTATCTT
CATAACATAGATGAGAAAAACAGTGCAGAAAAGCTTTTGAGCTCGAGTCAGAGTCCACA
GAAAGTAATGGGCTCGAGCTTCAAGCACCTTTGGTGAAGGGCCGCCGCGGTCCACCCCG
CACCCCGGCCCTGGGCGCTCAAACCGCAGCCGGTGCAGCTGGGCTCCGGAGCCCTCGGT
CAAGCAGTGCCGCGCCACAGTTGGGTCTTCCGGGTTTCTGTCTCAACTATGCACGCCCT
CCCCCGTGCGCGCCCTCACCTGGCCTCCAGCTACCCGAAGTGACAGGTGGACGGAGGG
AGGAGTGGCCAGTGGAGGCATCAGTTGCCGGAAGCTGTACCTTTGATCTCGGAAGTTCC
CCCTTGCTGTGGAACGCAGTTCCGGTTAGGCGGCTGAGTTTGTTCAGTTGCTAACAG
ATCTAGCCCTGCTTTCCCTAGTTCCAGTTCCAAGATGGGGAAATCCTTCGCCAACTTCA
>EP73799 (+) Hs CNIH; range -499 to 100.

CCAACCTAGGAAACACCTACAGCAGGAATCCTGCCTAAATGCTCCAGGGCGGGCTGGCTG
TCCTTCTTTGACCTTTAGAGCATCCCACACATCCGTTTACGGGGTTATAATAACGTA
ATTATTTATTTAGGTGTTTCTTCCGGCACTATACTAAGTTCTTTTCAGTGCAGGTACTAT

TGAGAGGGAAGTAACCATGGGAGGGCTGCTGGTCCACTGAATGAGAGAGATTTTTCCAGAA

CCTCATGCTGGGGCTTTGATTAGGAATCCCCCTTCTCCTCTAGTAAGTCTGCCTTCCCT
GGCCTATGGCTTACGTCTAAAGCCTCGAGCCTCATCGTTCCACCGAGGACCAGCTGGAA
GCCATTTTGATTATGCTCCACCACGAAGGAGGACAATACAGCCCCGCCAGAGCCAGGCG
CGCCCCCGGGCGGGGCCGGGTGCGCGTGTCCGCGCTCTTCCCGCGGGCCGGCGGGCGC
CTGGCCCAGGACGCGGTGGCGTGGGACGGGGGGTGGGGGTGTTATGTAAGCGTTGCGCG
CTCCCGCAGAGCGCCAGCCAATGGGAGGCTTCGGCTACTCGTGCTCGCGCACGCAGGGTG
GGGGGAGGGAGCGACGACGTGCGCGCACCTCTCCCTCGTCCACCGCTGCCGCTCCT
TCTTCTGCCGCTCCTGGTGCTGCTTGTGTGCTCGTTTGGTGCGGACCTGGTACCTCTTT
>EP73806 (+) Hs GPI; range -499 to 100.

TGCAACCCCGATTCTCAGCACCTTTTCATCTTGGTTTTCTCAATAGCCCTTACCACCA
GCAGACACACATCATCTGTTGTAATTGCTTATTTGGCACATATGTATCCACAGCGCCTAG
AACACTGCCTGTAACGTGGAAGGTGTTGATCTATAGAGTTTTGTGCAATGAATGAATGA
AGCCGACTAGTGACAGGGAGTGACGGCGCGATGGTAGCTCTCTGCAGCCTCCAACAC
CTGGGCTCCAGTGATCCCCGGGCTCTGCCACCTCCCCACTGCCACTTCCGGGCAGAGG
CCAGCAAAGCGGCGGCGCAAGAGGTAGGGAGAGAGGAGCTGAGGCCCCAGATCAGCGGCC
GCGGGCAAGTCTGCTCAGCGGGCACCCGGCTGGGTATCGGGGCGCGGGTTCGGGGCGGG
GCCGGGGCTCAGGGGTGGGGCGGGCCGGGCGGGCCGGGCGGCTGCGCCATAAAGGCCG
CCGCGCGCCCCACGCGCTCGTTTGTGCGCGCTGCCGCGCTCCTTCTCTCGGCTCGC
GTCTCACTCAGTGACCTTCTAGTCCCGCATGGCCGCTCTCACCCGGGACCCCCAGTTC
>EP73807 (+) Hs GSN; range -499 to 100.

AATGAGCTGGGAATCGCTCTTCTCCTTATTCCTTCCGTGGGAGGGAATCTCCCCTGCT
TTGCATGCAGCCTATGTACTCTTCGAGGGCTTTGCCTCCTGAAGTCCGTTCTCTCCAGG
GCTGAAATCTGCCTCCGCTGGTGCTAGTTGAGCATTGCTCGTTGCCCGTCCCATCTGAG
CTCTTTGGCCCCAGCCAGCTCAGGAGCTGCCCTGGGTCTCCTCCCCGACCTAGGCCTC
TTCAGATCTCCCCTCCGTGCTCCGGGCTCAGTTTCTCCAGGGGAAAGCAGAGGGCTTG
GTTTGGTGCTTCTGCGAGGTGAAGCGAGGGGTCCCCCTGGACGAAGCGAGCTTGGAG
CCACCCGCCCAGCAGCCGACGGGAGGGCCTGGCGCTCCTCCCCACCCGCTGCCCGGCC
GCCCCGCCCCGAGGGCGGCTCCCCGCCGCGCCCTGCCACCCCGGCCGCGCACCAAA
CGCCCCGCCCCGCGCCCGGAACAGCTGAGCGCAGCTGGACCCAGCAGCCGCTGTCTC
CAGTGCCGCAGCAGGAGGAGGGGAGGCGCGGGCCCCGGCCCCGGGCATCTGGGGGTCC
>EP73808 (+) Hs IL2RG; range -499 to 100.

AGGGTGGGTATTCTGGTTTGGATTAGATCAGAGGAAAGACAGCTGTATATGTGCCACAG
GAGCCAAAGCGGTATTTTCCATCTCCCAAACAGTAGAGCTTTGACAGAGATTTAAGGG
TGACCAAGTCAAGGAAGAGGCGATGGCATAGAACGGTGATGTCGGGGGTGGGGTTAGAA
CTTCCATTATAGAAGGTAATGATTTAGAGGAGAAGGTGGTTGAGAATGGTGCTAGTGGA
GTGAACAGATCCTTCCAGGATCTAGGTGGGCTGAGGATTTTTGAGTCTGTGACACTATT
GTATATCCAGCTTTAGTTTCTGTTTACCACCTTACAGCAGCACCTAATCTCTAGAGGAC
TTAGCCCGTGTACACAGCACATATTTGCCACACCTCTGTAAAGCCCTGGTTTATAAGG
TTCTTTCCACCGGAAGCTATGACAGAGGAAACGTGTGGGTGGGGAGGGGTAGTGGGTGAG
GGACCCAGGTTCTGACACAGACAGACTACACCCAGGGAATGAAGAGCAAGCGCCATGTT
GAAGCCATCATTACCATTACATCCCTCTTATTCTGCAGCTGCCCTGCTGGGAGTGGG
>EP73809 (+) Hs MYL2; range -499 to 100.

TCATGGTTATTTTAAAGATGGTGGTTCGGGGAGGCTTCACTCAGGAGATGACATATGAGCA
AAGATGCAGTGAAGGAGGTGAAGGAAGGAGCCGTGCGATGACTGACAGAAAGACATTCCA
GGTAGAGGGCACACAGGTGCAAGACCTGAGGGCAGATCCAGGCTGATAAAACAGAGCA
TTTTAGCAGTCTCTCTCCCTGCCATTTTTTTCTCAAATTGACAAGCACAAGTGTCCTC
CGGCCAAGCACCGCAGAGAGCGCGCAGCATCTCTCCCGTGACCATGACCCAGCTACTG
CCTCTTTAACCTTGAATGCCTTTTTGGGGGCTCACGTGTACCCAGTGGCGAGTGAGCCA
CCCTTACTTCAAGAAGCGCATGGGGTGGGGGGGCTTAGGTGGTGCCCGCCTCACCTA
TGACTGCCAAAGCGGTATGGGTTATTTTTAAACATGGGGAGGAAGTATTTATTGTTT
CTGGGCTGCAGAGAGCTGGGCGGAGTGTGGAATTCTCTCGGGAGGCAGTGCTGGGTCTT
TTCCACCATGGTGAGTACAAGGGCTCCAGGAGGTGATGATGCCGGGTGGGCGAGGAGAGG
>EP73810 (+) Hs COPE; range -499 to 100.

GGGCCATACTCACCTCCAGGATGGCGGGGATGCAGCCGAGCTGCACGGGCGTGGGCTGC
TTCAAACCCAGTGCCGACATTGTTCCACGAGCCACGATGACAGCCCGAGCTCCGCGAAG
CCTGCCATCCTTGTGGCCGCTTGAGGGGCCCCCTTGAGGGGCCGCTGTGATCCGCGCTT
CCGGCGCGCGCCGACGACGTACGAGAAAAATCTTCTGTTTATTGGATCTGCCTCCTGC
GTGGTCCACCTCTCCAGCTCCCTCAGCCTATTCCAGCCTCGACCGCATCCTTATCAT
GTTTCCCCGGATCCCATTTGGCTTGAGAAACACACTACAATTCCCAGATGCTCTCCGTG
ACGCACTTACGCCTTCCGCCCTTGCATATTATTGTGGAGCTTCCATTGGCTTACTTC
GCCGCCGCTCGAAAAAGTAACTACATTTCTAGCGTGCCCGTGTCTTGCTTCCGGCTG
ACGTGTCTTTCAGGAAGAGGAGCTGGTGAGAAGACAGCGAAATGGCGCCTCCGGCCCCG
GCCCGGCTCCGGCGGCTCCGGGGAGGTAGACGAGCTGTTTCGACGTAAAGAACGCCTTCT
>EP73811 (+) Hs HPCL2; range -499 to 100.

GCGGTAGCACAGCAACGCACAAACAGCCCCAGCAAACGACGCGCGCCGGGCTTCCCA

GCTCCCGGCAGCCTTTGCGCAGCCCTCCCCAAGTCCAAC TGGGCGCCCGGGGCGGGGTCT
GGACCGCACGCCCTTACCACACCCCTCCGCGCCGACCA CGCCCCCTCCGTACCTGCTC
TTAGCGCGCCTTCCGCCCTGAATATGCGCATGCGCCATTCTCCCTTTACAGCCCCGAAAA
CGCTCCAGCTGGCCGACTCGGAGACAATGGCGAGAGGCCTCAGAGTTCGGCTTCTTACCT
GCTTTGCATAGGCAGCAATCTCTGCTAGTCCCGCTCCCTCTGGCATTCTGGCGCGCGA
ATGGAGGAGCCGAGAAGAGAGCGCAGTTCTGATTGGAGAACGCGCGTGTTTACATTCTCA
CCTCTCCCGGGAAGTGGACGAATTTAGACCGCCTCTTCTTCCCGTTGTTTAAGGCAGTT
GGTTGCCCTCTGTCCGTAGAGGTGACGTACCAGAGGTGGCGTGCTGCCGATTTTCGCGT
TTGCCCTTGCTGGATGATTCCGCTTGTGTTGCCGGCTGCGTGAGTGCTTAGAGCTTTTCGGT
>EP73812 (+) Hs HSPBP1; range -499 to 100.

ACGGTTGCGACCCAGGGCTCCTGTAGATGGGTTGGTGGCCCCGGTGGAGGCGAAAGTC
AGATTAGTTGGGGCGAGGTCCCAAACCTTCTAAGGATGACTGACAGCAATGAGTGGGAGG
GGCCTGTAAAGGGGCGGGGCCAACTGGGAGAGTCTGAAAGGCCTAGAGCAGGGGCGGG
AATCGTAGGGTGGGCGGGTCTCAGACCTGGGGGCGGGGCACACGTTAGAAGAGGGGTGGAG
CTTGCAAAAGTATCGGGGGCGGGACTCGCTGAGGTGCGAAAACTGGGCCAGGGGCGAGGC
TTTGACACGACTACTTGAGCGTGAAGGGGCGGCGCCGCGACGAAGGGGCGTCCCAGCTTGG
AGGCGGGGCGGGATGGAGGGGCGGGGCGAGTGCAATATCCCGCCAGGTGAGAAGGGG
ATAAGAGTCGGGCAAGCAGCTTCAGCCGCAACACGGCACGAAGTTGGGTGGGTACGCCT
GGCACTTCCGGGTGAAACCGTGCGTATTTCCGGTTAAGATGGCGGCGCCAGCAGAGTCA
GGTGCGGACGACTTTGTCTGTAGGAGCAGCGGCGCTTGAGGACCCGGGGAGGTGAGATC
>EP73813 (+) Hs M9; range -499 to 100.

ACTTGAACTGGAGAGCTCAGGATCCTGCACAGGCGCCAGGCCTGTGGCAAGAGGGAC
CTCAGAACACCTCCCTCGAACTTGCCATGGCCTAACGTAAGGCTGCTGCGTGCAATTC
CCGCGAGAGCTCCGTGGCCTCATGGCGCGCGCAATACAACGCGCGCGCACGCCGCCAGAG
CTCCGGGTGCTTCCCGGTGAGTTCGCGCGCGCACGCTCCCGCGCTACCGGCACTGGAAC
GGGTCTGTGAGGCGCGGAAAAAGCTTAGCCCCGCCCCCTCGCCACGAGAGGCGCCTGCGC
ACTGGGATCCAGTAAGATTTTCTCACGCTGTCTGTCCAGCTTGAGTGGCGCAATGCGC
ACGCGCCAATTGCGCCTGCGAGGAAGAAGTACGTGGCAGCCGAAAGCGTGGCGGCTGC
TGCTAGAGCCTTTCCCTTTACCGCACCCAAAGAGCTGGAGCGACAACAACGACGTCGTTT
CCGTTTCCACCACCTCTTCTGTCTCCGTCCTTGAGGACGCCGTGCCGGGTGAGTGTTAG
CCTCCAGCCCTGGTTGTGGAAGGCGACAGAAGTCATGGCGATGTTTGAGCAGATGAGAGC
>EP73814 (+) Hs KIAA0174; range -499 to 100.

TGGCAGGATTTGGGAGTTAAGATGAAAAATATTTTCAATTATGGGTCTAAATTTAATCAT
CTTCCCCCATTTGCCATCCCTGTTGAGATTTTTTTGGGAGAAGCAGGGAGCCCTTCTGCTT
CTTTATCTTTTTATCACACCACCCCATGCCAATATCTAGGTATTAATTTTCTGTGTCAC
CAAATTTCTTTCAGCTGTGCCTTTAAAGTAGATTTCAAATCCAGTTGCTGACACTGCTAAC
CACCTAGTCTGAGCTATTACCATCTCTTGTCTGGATGATAATAATAGCCTTCCATTGG
TCTTCTGCTTCCAGTATTATCTTCCCAATCAGTTTTTTTTTACAACAGCCAAAACAAT
CTGTA AAAAATGTGAATTAGATCATGTCAATTTCTGTATTAGAAAAACTCTGTTTTT
GTTTCACATAATTACCCCTAAGAGGTGTTAGTTCCTGAACTAATGTTGACTTGAAAATA
GTCATTGTGCTTCTTCTGTTTCTAGGAGGAACAGCACAGCATGCTGGGCTCTGGATTTAA
AGCTGAGCGCTTAAGAGTGAATTTGAGATTAGTCATAAATCGCCTTAAACTATTGGAGAA
>EP73815 (+) Hs HSPC142; range -499 to 100.

GATTTCATGCAATATATGTAAATAAGGAACAAGAATTAAGTAATTGGGAAGGGCCCTGG
ATGCTCAGGCCACACCCACATGGGAATACCTGCCCCACATGGAGGCTCAGGCCAGCTCCA
CCAATCACCATCAGCTCCTCCTTTCCCTAAATCGGCCTTCTCCGTCCCTCTTAGCCT
ATCACATTGCAAGCTCCACCTCTATTCCACGTTTCAGCCTATCACGGTAGAAGCACTGAC
TATTGTAGTCTGATTCGGCCAAAAACAATAATTTCTACTAATTTTTTAAATCCAATCACATT
TCATACTTTGCTCCAGTGTAGCCAATCACATTCAGGTCGCCCGCACCCAGCTCCAGGC
AGCTCTCACTCCAAACCCACCCCAACCAAGTTTCAGCCTATCAGTTTCCAAGTTCTTT
CTAGCCTCAACCAGTTTCTGTCTCTGCTTGTCTGCAGCCCGCTGAACTACATTTCCAG
GAGGCGTCGGGGCTGCGCCGTACAACCTCCGGCTGTAAAGATGGCGGCTTCTAGTGAGT
CGGCGGCTGATTTAGAAGGAGGTTACGGCTACGGTGAGCCGAAGGTGGGTGGTGAAAGCG
>EP73816 (+) Hs ABS; range -499 to 100.

CAGTCAGGGAGGCAGGGTGTGTCGAGCGGTTTATCCCGCAACCCCGGCGTCCCCGGCAGG
GATGAAAGCGCAGGGGCCACGCGAACTCGGCCGCGAGCTCCCGGCCCTAGAGGACGCACT
GTCCGCCGGCAGGGGCGTGCCCAAGACGCCATGCTCTGGGAGAGGTTGGGCACCTGGCAG
GCCGCCCCGACTCCGGATCAGCTGTCTCCGCTGCGTACGCTTCTCTTCCAATGGGCTT
GGATTGAGCCTTCTAGCGCATATTCCAAGTCTCCAATGTCCCAATGCCTTGACGCCG
GTTTCGCCCTCGGTCTGGCAACTGTGCGTAACCAACCCATGAAAGCGTCCATGCCTCGC
CGTGCGATAGTATCTCCGGAACAAATTTGTCCCTCTGCGCGATCCGGAATCCGAGGTGCG
TTCCTACGCGCCGTGTTTCGCTCTTACATCGGATTGGGTCTCACGCAAGGATGAGGCG
GGGTTTCGCCGTGGCGCGCATGCGTGACAGCAAGAATGGAGGAGTCGGAACCCGAACGGA
AGGTAGGAGAGAGGCGAGACCCGCGCGTGTGGGAGCGGGCGTGAAGAGGGGAGCAGGCC
>EP73817 (+) Hs ISYNA1; range -499 to 100.

GGCGGCACATGGGGAGCCAGGGGATGGGACTGCCTGGTAGGTGCTGCTGCCCACGAAGGG
GGAGTAGGTGGCAGTGTGGCTCCGAGGAGATTCTGGCTTTGGAGTTCTGGTCCTCTGCCT
GTTTCCCCTGCAGTGTCTCTGACCCAGACCCCCTACCTACCCCCCGGAGGCCAGCTTC
CCTGCCCAGCTCCACCCCCTGGCTTGTGGCTGGGCTCATGTGTAGCCTCATTGTCCTCTT
GTAAAGGGGGGATAGGCAGCCATGAGCCCCTGGGGGCTGCGGAGCGAGCGAGGTGAACCT
ATACGCGCCGCTCGTGGACGCTGGCCACTTCCGCCAGGCGGGGACCCGATGGCCACG
GTGGCTCTGGGTTGTGGGCTCGAACCAGGCTCCAGACGTTGGGCCCCCTCCCTCCCAG
CGCGGGAGAGGCGGGGAAGGGGGCGGGGCGGGGAGGGGCCGAGCGCTTTTCTCCGGAG
GTCGCGCGCCCGAGAGCCCGCTGTCCGCCGCCGCTGCCTGAGTCGACTCTGCGCCGGT
GAGTGCAGTTCCGGGACGGGACGGCCTCCGTGGGGACCCAGGCTGGCTTGGCCCCGCGCC
>EP73818 (+) Hs C140RF100; range -499 to 100.

CTGTAGCCCTCGTTGTGCAGGAACAGGACGCCAGATGCGCGTCCGGCAGCTCGCTCGGG
ACTAGGACCGCCCCGTACATGTCCCGGTGCCCTCGGGGCTCGAACATGAGCCGTGCGCCG
ACGTGGTCAAGTGCTGGCGCATGTAGCGCCGCTTGGCCAGCAGGGTGGGCCCAGACACC
TCCGGACACCCGCCAGCAGATACGCAAGGGCTCGCCGCCCGTGTGCATGTCCACCACC
GACAGCACCGGCGTCCCTGGATCATGCGGGGCGAGCCGGGGCACCAGCGCGCTCTCC
ATGGTCTGCGTGGGGGAGACGAGTACGGTCCCGCAGCTATGGCTTCAAGCCCCAGCCCTC
ACCCACTGACTCCGCGGGAGGAGGGCGGGACGCTAACCCAGCCACGTCCGGGGGGCGGGT
CTCGGAGCCTAAACCCGGAAGCGAGGGAGGAATTCCGGAGCTGTGCGCCGGGTTACCGGG
AGGCGGAGCCGCCGAGCTCGTGTGGCCCGGATGTTCCGGTGCAGCTGCCAGATCCGCTGA
TCTAGTGCTTCTCGAAAAAACCTTCAGGCGGCCCATGGGTGAGTGGTGCCTAAGATCCC
>EP73819 (+) Hs FLJ10458; range -499 to 100.

GGGACACTGAGGCTGGGGAGTGGGGGACTTGCTGCTTGAAGTTCAGGAGTTTGAGACCAGC
CTGGGCAACATAGTGAGACCTCGTCTCTACAAAAAATGAGAAAAAATAACCGGGCAGGG
TGTCATGTGCCTGTAGTCCAGGCTACTCTGAGGCTGAGGTGGGAGGATCGCTGTGCCAGA
AAGTTCGAGACTGCAGTGAGCCGTGGTGGCACCACTGCCCTCCAGTCTGGGCGACGGAGT
GAAACTCTGTCTCAAAATGAAATTAATAAAATGGGGCAAGAATCCCTGTTGTGAAGAG
TCAAAAGTTTACTGTGTCCTTAAGACCCTGGCGAAAAATAAATGTGAAGGCTGTTGAGG
GGCGGGAGGAGCACCAGGTAAGCCCATTTCTAATCCCTGAGGCGGTGCGCAGCGGGACGC
TTCTCCTCCCCAACAGCAGAGGGCGATGTGGCCGGCGGGCAGCCCCGCCGACCACGGAGA
CGGCGCTCTGTGCGGGGCTTTTCTCCTCCAGTGGGGACGCGAGGATGGCGGCAGCAG
TGCCGGTGGGTGTGCGTGGATGGGGGCGGGGGCGTCCGCGCGGGGCGCTAGGGCCCCGG
>EP73820 (+) Hs CLKFSF6; range -499 to 100.

CTTCTCCTTCTTCTCCTCCTCCTCCTCCTTCTTTTTTTTTTTAATAAATTTATCAAG
CCACCAGAAATGCTGAATCCATTATTTTCTGTATCATATTTTACGTCACCTTATCACTATC
TGAAATTGCTATCCATCTGTTTTCTTGTATTGTCTGTCTCTGTTACTAGGGATCCTGT
GATTTTGGGTAGTACTTGGCTGTACCCAAGTACCTAGAACGGGGTTCAGTGCACACCGA
AAGTACGCAAAAATACTAAGTGAATGAATGTCAGGAGGATGAAAGATGGAGGGAGGTGAG
AAATCCATCAAAGGCTCACAGAAAGAACTCAATTCTTGGATGAAAGTCGGAAGAATCCCA
ACAGCTAACAAAGCAATTTGCTGAGAGGGGGCGGGGCGGGCCAAGGGCGGGGGCGGGAAG
GGGCGGAGTCAGGCGGAAGCCGGGGAGAAGGCCAGGAAGTGACGGCCGCTCCCGGCTA
CCGGGGACTTCTGGAGTCCGAGAAGTCAACGGCGCGGTTGCTGCGGCCCGCGCTCCCC
GGCCCCGAGGCGATGGAGAACGGAGCGGTGTACAGCCCCACTACGGAGGAGGACCCGGGCC
>EP73821 (+) Hs FLJ20422; range -499 to 100.

GATGTAGGATATTTACAAAGGCTGGAGGTATGAGACAGCATGGTGGGTGCAAGTTGTAC
TATAGGGTGCACAATAGTGCTAGCAGCAGATTTAAGTCAGGCAGAAAGGTCTGAATTCAG
TCTGAGTACTTAGCCTACTTAGTACTTAGGAGTACTAAGTACTTCGTCTACTAAGTGGGA
GCCATTGAATGTTCTTGATGGGGGGAGGGAATTCTACTCTCAGAAATGTCCTTAGGTGG
GAATAAATGCTTTCTGCTGCAAACTTTGAGATAAGTGTAGGAAAGAGAAAACTAAGCCTT
AAGAGAGGTTCGGCCAGCAGCGCCCTCCAGACACAATCTTCACTTTGATCGATCCGAACCA
GCGTATCTGAACTACAATTTCCGGCATGCAACGCGAGCGGCCTCCTCGTCCCTGGTGATT
TGCCGGCTCAAGACACACTGATTGGTCGGACGGGATGCTCGTCAGACCAGAGTCGGGCTC
TAATTGGTCGAGTTTCCGAGAGTGCCCGGAGCCCTAGGCCGGTGGGTGAGTGCACCGCG
TTCTCGCACGCGTCATGGTGAGCGAGCGTCCCGCGAAGTGGGGGGTTCTGCAGGGCCGAG
>EP73822 (+) Hs PLEKHB2; range -499 to 100.

GGGCTGTTTTTACTTTAGGTTATAACTTAATGCAATGTACTTTATATTGCTGCTCAAAT
TGTCACAGGCGCGGCCCCCGAAGCTCTCTGGGTAGATCCCTGCGCCCTTGGACGCCCGG
TCCTTCAGTTTTTTGAGCACCTCAAGCTTCTGGCCTACAAAACGCTCCCGGCTCAGCTGG
AGCTTTCTGCGCCCGGGTCTAGAGTCGCCCATTTCTCTAAGGCGCCTTGGCCCTATTTT
TAGAGAGCGGTATTTAGAAACCAAGATTAGGGTGCTAACAAATTTTTTTTTAAATTTTAT
ATTTTTAAGACAGGATCTCACTTTGTAACACTTCCTTTTAGTGGAAGCGCCGACCTCCTG
GGAGACCCACGCCCCCTGCCGCTTCCGTCCCGTTTCTCAGAAAACACCCAGACACCCC
GCCCCACCGCGGGGGCCCGCGCATGCGCGCCGAGGCGTGACGTGAGAACGGCGGCC
AGGACGCCGACGTGCGGCAGTTGCAGGCGAGCAGGCGAGGAATCGCCGTGGCGTCTTGG
TGTTCTCCACGCTGGTTCCGAGGTGAGTGTCCCTGTTTGTAGTCCGGACGACCCTAGCTCCT

>EP73823 (+) Hs ESRRBL1; range -499 to 100.

TCTCGTTGGAAGTTCTCTGCAGTAAAGGTAAACCTATGGTATTGACTATCTTTACAAC
ATGAAAAACTTTTCAATTCTGAGAAAATAAGGTATCAGTGAGCCAGTGCAGCCTTCAGT
GCTACACGTCTTCACCTCCCTTAATCTTTTAAACAGCTACTAGCTGACCCAGATGCCCG
CTTAATTGCTTTTAGCAACCACAGGTCCAACACACCTCAAGCCAGCTCAAGACTACTA
GGCAAGCGGAGCAGAAACGTAAGCCGGCTCCCTTCAGACTTTTCAGCGAGGGAGAAGACGC
AGCCGGCAGTGGGGCGGAACGCCACGCCTCCATGAGGGGCGGGGCTGCTTCCCGACCAC
CATTTCCACAGAGGCAGGGCAAGAAGAGGGCCACAGGTGACGTATTTCAGGAAAGCCGCC
CTGATTGGAGGGAAGGAGGCGGAGTCTAGTTTCCCTGGTGACGGATTGTCCGGTGGTCGC
CTGGTAACCGGTCTGTGGTGTACTGGCGGCGGAGGGCTGGCGGCTTAGGCCGCAGAGGT
CTGTGGGCTGAGCCACGCTGGACTCTGTCCGTTCTGCGATGACTGTGCTCTGGCCGT

>EP73824 (+) Hs FLJ20244; range -499 to 100.

CTTCATACACTGGTTAGAATTTACCGAGCGCTTACAATGTTAGAGTGGTTCTTTGCACA
CTTTCCAGGAATCTGTCAATTAATCTTTGCTCTATCTGAGAAACCACGATTCTCATTTAA
TAGGTAAGAAAAGTGAAGCCGCGGAGTAACCTGCCAGAGCATGTGATGGGACTGAGAT
TCAAACCCGGTAAATCCAACCTCAGAGCCTGAGTCATTCTGCAGGGTGCTCTGAAATAA
TGTTATATAGCACCCACACAGAGGACCAATAAGTGTGGGTTTCTCCGCTTAC
CGCCCCTTTTCTGAGCCACAACCTTCTCATCTGTGAAATGGGACTAGGGACGTGTCTCT
CCCAGGGGATCCACTGTGATTAACACCCCCGGAACAGCACGATCAGCGCGCTTCTTTAT
GGCTTTTCATTTTGATCCCGGCCGCCACCGTACGTTTCTCATTGACTGGCCAACCACTA
TCATGTGATTGCCCCACCACTGTGCCAACATGGCGGCGCCAGGTCTAATTCGGGAAA
CGTGACCTTGACTAATTCGGTTTTCTGTGGTACGAGAGCAGGTGAGGACGGGCTAGGC
>EP73825 (+) Hs FLJ10374; range -499 to 100.

CACAGGTGGGCAATGGAGGGACATTTGGGAGACACTGCGTATGTTTAGGAAGTTGGTTG
GAGCCTGATCTTTAAGTCAATGTCTGTGACTCAAGAGTCGTCCAGGGTCTCTTAAGTCA
CCCTATGTGTGGCCCCAACCCATGTGAGAGTTGCGGGCCAGGAACGATGTGTGGATT
CCAGAGCCCAGAATACAAGGCAGGCGCATAATACATATTTGCTGAATAAAGAATGAAGA
ACAAGAGGTACGTTACAAAATTTTAAACGAGCCGCTGCCGCTTCTAGGGGGCGCAGCGC
ACTATACAAAATTTCTCAATTCACATGGCTCCCGGAATCTTATTTGCGCTACTCAGG
TTGCAACTCCGAGGGAAGACGCTGGGACTTCAGCTTGATAGGCGGGGATTGGAACCAA
TGAAAGAGGTCTGCTGTGTATGCTGCAGCCAATAATAGCGGCCGAAGGAAGTGACGTTTG
CGGAAGTAAGGCTTCGTCGGAAGGCTCGATAATTACCCAGCCTAACCATTTCTCAGGT
GCTTGCGAGGTGATCAGAAGGCAAGATGTGAGGCGAAAAGTATTAACGTAAGTGTG
>EP73826 (+) Hs ACTR10; range -499 to 100.

TCCCCACAGATAAGAAAACACATATTCTTGTATTCTTGAGAAGATTAAATATTAGGCA
AAACGCCTAGCACAGAATAGGGTCTCAGCATCTTCTGCCCCCAAGAGCATGAATCAAAG
GTTTCGGAATTGCGTCGTCTCTCGGCTGCCCTTGGCAGCCAGGTCTCAGTGACCTCTTC
ACAGTGAGCTGAGACCGAACCTCTTACAGCCGCGCGTGGGTGCGGCTTTGGGGCGTGGT
GGGAGGGAAGGATAGGGAGGCCGGCTCCGCCCCCTCAGGGCGACCGGCGCGCTGATCGC
CGCGGCTCCGCGCCCCCGCACTCGGATTCGCGCCCCGCCAGCGCTCTTTCCCTAGTC
CTGGCGACGGCAGCACCTGCAAGGGTGGGTCCAACGCGGAATGAGGCACAGCCTGGGACA
GCCCGGGCCCGCGCGCCGCGCGCGAGGCCCGCGCTGCGGACGCCCGAGCGCC
GGAGCCCCGGCCCCGCCCGCGAGCGCCGAGACTTGTGGCCGCGGAGACTGCGACCCCTC
TTCTCTCAGTCTGCCTTACTACCATGCCGCTCTACGAGGGCCTGGGGAGCGGCGGGGAGA
>EP73827 (+) Hs DC6; range -499 to 100.

AAGGGGAAGGAACGGAGTACGAAGGGCGCCGCTTCCACCTGCGTCAAGCTCCAGC
TGGTAACAAGGCAGCGGCTCAAGAGAGAGCTTGTAAACCTCGAAGCGGGGATCCAACAGA
GGTCTCTTACCCGTAGGGAGCAATTAGCCGCCACCTCCATCGCTTTCCAGGGCCGACG
GTGAGAATTAATAAGCCCTTGTGAAAGGTCCGCGCTTACGCCTCGCACAGAGACTGG
GAAGCGGCGTGGTTCCCATCCAGAAAACACTGCGGTGCGAACTGCCTTCTGGGAAATGT
AGTGTCCGTGAAAAAGTTGAGACTGTTGCATGCTGGGCTATGTAGTTCTCCTGGTACTTA
ACGCGCGCGCGACGGCAAGGTCTGAACTCTGTTACCCAGAGGCCCTAGCAACCAGGAGGC
GGCCCGCGCTGGTTAAATTCTCACATTATAGGCAGGGTGGCGAGACCCCGCCCGGAAAT
GCGTGTCTAGCTTTCTGTGTGCTTAGGTGCCGAGCTACTGAGGGTCTAAGTCCGGGCA
GCCGAAGAGTGTGGTAGGTAACGGTCTCAGCGCAAGGGTCATTTCTGCTGCTGGGAAGGG
>EP73828 (+) Hs RPS23; range -499 to 100.

GGGTTTTAGTTACTACACTACATTGCTTCACTATATTTTACAATTTACTAGCTGCTTATA
AGTATGAATTAAGGCTCAGAAGTCTAATTTCCAGACTACTCGGAGGACTCTCGCCCCAC
TCCACTCCACAAAGATTACAGTCTCAGCGACTCCTTCTACTCTGACCTAGCCCCGCGTCCC
GCTCTCAGTGGCTTGGGCAAGAGCGCTGCGCGGTGAGCGGGTCCCATAAAACGCATTCT
GGGATTGGTAGTCCATGTTCTCCGGTCTCCAGCATTCAAAGAAAAAGGGGGAAAAAA
ACCATGCAAATTAGATATCTTGAATTTCTTGCAATTAATAAGACGCAGATTCTGGCT
CAGGAAAGTGATGCAAACGCGTGGTTTTCAAAGGAGAGACCCAGCCTCGGGTCAGGCGC
GGCGCAGACAGCGCGCGGGTCTTGGCTGGGCGGGCTTGTCTGCGGTGGCTTGTGGC
TCCTTCTGCGGTGCTTCTCTTTCTGCTCAGGCCGTGGCGCCGACAGGATGGGTGAGC

TGTTGTGGCCGGTTTAAGGGCGCTGCAAGCGGGACTTGGGGTCTTGGGGACGGGCGGGCG
>EP73829 (+) Hs ALG2; range -499 to 100.

TCAGGGCTTCTGGGAGAGGGCGGGATCATGGAAGGGCCGCCATACCATATTGGAGATGAG
GGTGGCAAGGCGCTGACGCGGACGGATAGAAAATTACGGAGCCCCGAAAGACGGGCAGC
TGGCGAGACTGACTCAGGCCCGCCCCGACTTGCAGGCAAGGTCCTCTGACCCAG
GGACGCTGGGTCTCTACGATATGCCTGTAGACAGTCTGCTACAGACAACTTAGTTAC
CTGCTGTATGGGAAGTAGAGACCTCCGGCTCCTTCTTTGGATCACAACGTCTTCAGA
AAGTCCAATCCCTACCGAAGGAAAAATATAACCGGGGTGAGACAAGATATTTCTCAGGC
AGTTACTAGACCCTCACAGATTTGCGCTGATGTGGCCTAACTGACGCACGTACGGCAGGG
CGGGGTGCGCCCGCAGTGGCCAGCTGGGAGCTACGAGCGCGGAGCTTGCAGAGAAGACCC
CCATCAGGGTGCGGGGTGCAGTTGCGGCTCCAGGGCCATGGCGGAGGAGCAGGGCCGGGA
ACGGGACTCGGTTCCCAAGCCGTCGGTGCTGTTCTCCACCCAGACCTGGGCGTGGGCGG
>EP73830 (+) Hs ASAH1; range -499 to 100.

CCTTGTCCCTGACTCCGCGGTGGGGATGAATAACTCAACTCATTTTCGGGCCGCTTTTCTC
AGAGGGCAAAGATGGGTACAGGTGGGATGTTACATTAGTGTTGAGACTCTTTGGATCCGT
TTCGTGGGTACCGAGGACGCTGGGTACGCGGGACAGGTGCACCCGCCTGCTAGAGGCG
CCCCATCGAGGCGCCAGCGGTGAAGTCCCCGGCCCCACCTACGGGGCGGGCTCCGGCTC
GGTCCGACTATTGCCCCGCGGTGGGGGAGGGGATGGATACGCCACGCGCCAAAGGCGAT
CGCGACTCTCCTTCTGCAGGTAGCCTGGAAGGCTCTCTCTTTCTCTACGCCACCCTTT
TCGTGGCACTGAAAAGCCCCGTCTCTCTCCAGTCCCGCCTCTCCGAGCGTTCCCCC
TACTGCCTGGAATGGTGCGGTCCAGGTGCGGGTCACGCGGCGAGGGGGCGTGGCCTG
CCCCCGGCCAGCCGGCTCTTCTTTGCCTCTGCTGGAGTCCGGGGAGTGGCGTTGGCTGC
TAGAGCGATGCCGGGCCGAGTTGCGTCGCCTTAGTCTCTGGCTGCCGCCGTGAGCTG
>EP73831 (+) Hs GLA; range -499 to 100.

GGGAGGGGAAAGCAGAGAACGAAAGAGGCGGAGGCGGCCCCGAACCCGCTCTGGTCTT
CATCATCACCACCCCTGGGTCCCCAGTTCACCCACACACCAACCTTAACGATACCGG
GTAATTTTCTCCTTCTTCCCTCAAACGGCTATAGCGAGACGGTAGACGACGACCAGAAC
TACTTCTGCTCACGTAAGCGAGTAATCACGTGAGCGCCTACGTGATGTGAGATCTCGGTC
ACGTGAGCAACTCTCGGCTTAAACTCGGGATCACTAAGGTGCCGCACTTCCTTCTGGTAT
GGAAATAGGGCGGGTCAATATCAAGAAAGGAAGAGGGTGATTGGTTAGCGGAACGTCTTA
CGTGACTGATTATTGGTCTACCTCTGGGGATAACCGTCCCAGTTGCCAGAGAAACAATAA
CGTCATTATTTAATAAGTCATCGGTGATTGGTCCGCCCTGAGGTTAATCTTAAAGCCC
AGGTTACCCGCGGAAATTTAGCTGTCCGGTCACCGTGACAATGCAGCTGAGGAACCCAG
AACTACATCTGGGCTGCGCGCTTGCGCTTCTGGCCTCGTTTCTGGGACATCC
>EP73832 (+) Hs GM2A; range -499 to 100.

GCGGTTTCCCAAAGGTCTTCCAAAGGTGACGGCCCCGGCACGAGTTCACAAACCACAGC
TCCGCCCCATCCCTGCCCGCCCCGCCCTTCCCAGGAGCTCTGCTCCGCCCCGCCCCG
ACTCCGCTCGGCCCCCTCTCGCGCCACGCCCCGCCCTCCCGCGCGCGCAGCTCCGCCC
CGCCCTCGTGATCCCGCCCCAACCTCGTGTAAGCTCCCTTCCGTTCCAGCCGCCTTCAG
CCCCGCCGCGCTCAGTTCCGCCCTTTCTCTTCCAACCTCCGCCTACGCCCCAGAGAGGGA
AGGCCTTGACACCTACGCTAGAGAGACAGGCTCCAATGAAAAGAGCGAGGGGGCGGAGCC
GGGAGGAATCGGTCCAATTCTCGGCCGGGAAGTCTCTGGCCGGGACGGGGCAGGGCGAAC
CTGCCAGTGAAGTGAAGTCTCTTTGCGTAACCAATACTGGAAGGCATTTAAAGGCAC
CTCTGCCGCCACAGACCTTGCAAGTAACTCCGCCCTGACCCACCTTCCCGATGCAAGTCC
CTGATGCAGGCTCCCTCTGATCGCCCTGGGCTTGCTTCTCGCGGCCCTGCGCAAGCC
>EP73833 (+) Hs IRF3; range -499 to 100.

AGCGCCCCAACTCCTGGATTCTATAAGAGGCATATGCCAAACTCCTGAAACCTTTAAAGC
ATCGGGAACCTACCAATCCCAAGAGGTTTCAGGGCAAATCTTCCCCTAGGTCCGCGCTTCT
TCGCCGCGCAGCCTGCTGTGAGGTGTAGTTCCAAATCTCCGACCCCTGCTGGAATCTAGA
GGACCTGAGACCTTGGATGATCAGAGAAGCGGGACTGGGGTGCCACCACTGGATCCCGG
CCCCCTCCTTCTCCTCCTCACCCCCACCCCTCGTCAACACCCCGCTGACCTGGTCCGGGG
CCCCACCGCCGCTCCTCCACTCAACTTGCGGTCTCCTCCACTGAACTCGTACAACTTT
ATTAGTTCAACTTTCCGCGCCTGCGCACTGGGCGGGTTCGATAACCGGCCAGCGTAGA
AAGGGCGGAACGCTGGGTGCACGCTCAATTTGCATGTGACGCTCCAGCATGCCTCTGGC
CGGAAACCCAAAAAAGGGCATAGGGGCGGGAACAGCCCAGCGGGCCGTCCCATCGGCTTT
TGGGTCTGTTACCCAAAGAATGATAAAGTTGGTTTTATTTCAAGAAGTCGATCAAAAAGA
>EP73834 (+) Hs LYZ; range -499 to 100.

TGAGCAACGTGGTGTACACTATACACCCATTAAGACAACAGGCACATGTGTGATGTCCA
TTTTGTGAAAAAGATATGTAAAAATAATTTTAAAGTAAAAAAGATAAATATAAAAAAGTGAA
TGCATACAAAACAATTTACAAAAATTGAATGTTACTCAAAAATCACAGCTCATTTTAAAGC
TGCACAAAATAGTCATTTTTTTCTTTATAATTGCTCAAAATCATAATCAAACAGAAGAAA
GTTCTGTCTTGAAGTAGTGCTATGCCCAATTCTTCCAGAGCCAGTACTTTAAACAAT
TCCATTTTATTATTTCTGTAGACTAATTCTTAGGACATCAGCATATCTCTTTCAAGC
ATTAAAAAAATCTTTTAGAGTCAGTGGATCAATAGACAGTTCTGTTTTCCACACAAC
GAAAGGGTGGAGCCCCCAAACCACAAGGGGAAGAAGGAAAGTTAAAAGATGTTAAATACTG

GGGCCAGCTCACCTGGTCAGCCTAGCACTCTGACCTAGCAGTCAACATGAAGGCTCTCA
TTGTTCTGGGGCTTGCTCTCTTTCTGTTACGGTCCAGGGCAAGGTCTTTGAAAGGTGTG
>EP73835 (+) Hs PECI; range -499 to 100.

TCTGTGCCCCGCCCCACGCGCCGCGCAAGTCTCCGGGATCACCTCCCCGCGCCGCGA
ACCCCCGCACTTCTCCACTCCCGGTGATACCGGCCCTCGCTCCGGCCCCGCCCCGC
ATCTGAGCCCCGACTCCTAACCGCTAGAGCTCCCGCCCCGCCCACGCACCGACCCCCC
GGCCCCACCCCCGAGCCCCCGACGCCAGAGGAGGCCACGGGCTAGCGATGGCGAATGC
GGCGTGGCTACGCTCTCAGCTGGCCCCGCCCAACCCTGGCCCCGCCATGCCACAGG
TCCTGCTGGGCTCTGCTCTCGCCCCGCCCGCACCCAAGCCCCGGCCCCACCCCCGAG
CCCCCGCAGCCCGGGAGCCTAGGCCCGCCCCGAGTCCCGGCTCCACCCCCGAGACCCG
GCCCCACCCCCGAGCCCCCGCAGACCGAGCTAGGCCCGCCCCGAGACCCGGCCCCACC
CCCGAGCCCCCGCAGCCCTAGAGCGCCCAAGGGATGGCGATGGCGTACTTGGCTTGGAG
ACTGGCGCGGCTTCGTGTCCGAGGTAAGCTTGGAGTCCCGGCCGTTTCGGCCATGGTCG
>EP73836 (+) Hs GMPPA; range -499 to 100.

GGAGGTCTGGAGAGCGCTAGCGCGTGTGCTGATTTTCAACAGTCAAAGTATAAGAGTT
GCCCTCGCGTCCAAGGCGCCCTCACTTCCAGCGGTACCGCCGGCTGGGCTGGGACTC
CGCTTCTCCGCTTTTGAGCGCTCCAGCCCCAGCCCCCTGTGGCTGTTTGCCCTGGCC
CGCCCCCTTCCAGGGCTGGCCACACCCCTGCTGTCTTAGTCCCGTTTCTGTGGGA
CCAGTTCTCACTTCGGCTGCTGCCCCGAGGCCGATTCCCCAACAGCTCGGGTCCAGT
CTTAAGTTCCAGGCTGGGCTTCTCAGGCCCAACCCTTCTTCGATTTAACCCGCCCCGC
GATCCCTTGGTCACACCCCTGGACTTCAGCACCTTTTCTCTCCATAAAGTTAGAAAG
CGGGTAAAGGTCAGACTACAATTCCCGGCAGACCTGCGAATGAGTTCTCGGACTTGC
GAGAAGACACGTGCGCGGAAGGAGCTTGCAGTAGCGGGCGCAGAGCTGGAGTGAAGGGA
GCTAGTGGTAAAGGAGCTGGTGGAGGGGTGGCGGCAGGGGTAAGGGGACGGGGACCC
>EP73837 (+) Hs IDI1; range -499 to 100.

CATGGGACGCCGAGCTTCCGGCTGCAGGGCTTGGCGCCGGGCGCTTTCGGATTGGGAGG
GCTTCTCCATGGAACGCGAGCCTCGAGACGTCTGACGTTAGGCACCGTTTCGAGCGCCT
CGGGCTCGCACGGCAGGATCGAAAGCGTGATTGGCTGGCGGCGTCTGTGGTCTCGGGCAC
CGCCAGTCGCGGGACGCTGCCTCTGCGGAACCTGGGGGTGGGGCGTGTGACCCCTTAA
AGGCGCCAGAGCCCGGTCACGGCTCAGGTTCCCGGTGCTTCGCGCTCTGCCGTTGTC
ACAGGCCAGGGAGGTGGCACCACAGGCGAAGCTTGGCGAGATTGTGTCGTAAGCGCGT
ACGGGCGCCAATTGGCCGGGCGATGTGGCGTGGACTGGCGCTGGCGCAGCGATTGGCTG
CGCGGCCCGGGGCGGGGCGGTCAGTGGGCGGTGCGCGCCGAGAGTGTCTCAAAGCGGGCG
CCATCCGGGACCGCGGTTGTCTGTGGCCGAGGCTGATCAGGTAAGTGTGGACGGGCGGC
GGAGTTTCGGGAGACAGGGGACAGGGCGGCATCGGGGAGCTGCGGGACGGGGCGGGAGGAG
>EP73838 (+) Hs CDC42EP2; range -499 to 100.

CCTTCCCACTGTCTTTTCTAGTGGGAGTAAAGTATCACTAGCTTGTAAAGTTTGTA
GTATTCTAACGTAGGCGCTTCCAAGGAAGTCGCTGAATATACTTGTCCGGCGCTTCCCC
GACGCAGCCCTGCAGGGAAGGATCCGGTCCAAGGTCTCTCTGCGATTTCTGAAGAATTCTG
GTCTTCCCGAGCCTCTCCCCCGGCTCTTCTAGAACCAGAGTTTTAGTTCCTATGGGCA
CAGCCGGAGGCCGCTGCGCCACCCGGCCCTCAGCCGCCAGAACAGGACAGGACTCCAG
GGCGCGCGCGACCGCTGGACCCGGGAGCGGCACCTCCACGCCGGGAGCCCCGGGCGGTG
CCCGGAGTGGGGCGGGGCTGGGCGGGGATGGGGAGGGGCTTGGCTGGCGCGGCCCGGC
ATTGGCTCCGCGGGCGGGGCGGGGCTGCGGGGTCCGCGGTGCACTCTGTAAGTTCACCG
CCGGTCCGGTCCGGCCGCCGCGCTGTCCAGCTCTGAGACCTTGTGTCCGCCGCTGTGC
CGTCTGCGCGCTCACGGTAGTTTGGGCTGGGATTTTCGAGCTTCGCGGGGTCCCC
>EP73839 (+) Hs HNRPA3; range -499 to 100.

AAAGCTCCCAGAGAAGATGGGACTGGAGCTGGGCTGCTTAGCACTGAAACAGTGGATTG
GGGAGAATATTTGCATGCAAGTAAATATGCAAAAGATGTTCAAAGAACCAACAAAGTG
GTAGAAATGTGGAGTGAGAAATACGTAAATGTCCACAGCTCAGGAAACATGTTTTCCAA
CCAGCATCCCTGACCATTCCTCTTCCCCCTTCCCCAGGTCTAGGGCATCTAGAGCACCAAAATTAC
CAGCAACTCTCATCTTCTGACCCCTCTTACTTCACTTTTATCTAAAAGTACATTCC
GGCCTCATCTAACCATTTAAAGGCCATTTTCAGGTCCATGTGAGTGGCTCAATTGAGAT
ACTGCAAGACAGTGTGGTTTTCTGAAGTACAAGTTATCAATGAAGTTCAGAGTAAGT
CCTGAAGTGCAGAGGGAAGTGTGCTGATCCAGGCAGAGTTGCCTAAATGAAAACGCTGG
CCACCTTCTCTCGGTCCCATATTGATCTCGAGTTGGAAGAGGTGAGTCTGTCTCAAAA
TGGAGGTAAAACCGCCGCTGGTTGCCCCAGCCGACTCCGGCAGTCGCGCTGCCACT
>EP73840 (+) Hs LGALS4; range -499 to 100.

AGAACCTCTGGCTCCACACACTAGTAATCTAAACCACTTCCCTACAATACAACATACGT
GGTAAAGATGTGTGGTGGGACGCAATCAACGTAGGTCCCTTACAGTTGCTGGGAGAGG
CAGGAATTTGAGTTTCTCCGCTTCTCTCTCCGTGCCACCTGTCTGGGTCAATTC
CTGCAGCCTGCCCTGCCCTGCCTGGTCTCACCTCCCTCTGCCAACAGAAGTCTGGGCAG
GGTTTTATGGCTCTGATAAGGCCCTGGCAGGGCCGAAGTTCATGAGCACTTCTCTTTG
CAGGAGGGCGTAGGGGAGGGGACCCAGGTGATTTGGGTCCTGGCTGGTACCAGGGAAGC
TGGAAGGGAAGGGAGACTAGGGTGCCTCTAGGAGAAGCCGACAGCTGAGAGTCCAG

AAGAGGAGCCCTGTGGACCCTCCCCTGCCAGCCACTCCCTTACCCTGGGTATAAGAGCCA
CCACCGCCTGCCATCCGCCACCATCTCCCACTCCTGCAGCTCTTCTCACAGGACCAGCCA
CTAGCGCAGCCTCGAGCGATGGCCTATGTCCCCGACCGGGCTACCAGCCCACCTAACAA
>EP73841 (+) Hs NAPA; range -499 to 100.

TCCCACAAACGCCTTTCCAAGTGAAGAAACCGGCGAGACCAGCCGCGGGGGCGGGACTAA
GTTCTGCGCAGAACTGTCAAACCCGGGCGTGGGCCCCGAGCTGTACGTGAGTGTCTGCG
GTCAGCTGACTGTGCCAGAGTTCCGCGGGGAGGGCGAGTGGGGACCCCCGCCCCAGCG
CGAGCCGAGGGCTCCTGCTGATTGGTGGAGGAGGATCCAGCAGCAACACCGTGGGGCGGG
GCCTCGGCGGGGGTACTGCCATTGCCTTCCACAGGGTCACGTGGGAGGTGAGGTACAGA
GCCTTGGGGAGAGAGTGGAGCGCCGTTCCGCGGTATGTGCGCATGCGTTGAGGTCTCTTG
ACGCCGATTGGGGGGTACAGAGTCACGGGCGGCGTGC GGCGGCTGGTGGGGGCGTGTCCG
GCGGAGCGGGCGCGGCGTTACGAGGCCGCTGGTTGGCCAGCGCTAGTCACGTGGTTCCTG
GCCGCAAGCGACGCGCGCCGCTGCGACGTCAACGCAGCCGGGCGAGTTTACCGATCTGT
GTTCCGCGGGCCGCGCGGCTGAGTCTTCCAGGGTCAGGGTCAGGCGCTTGTGCTGAGT
>EP73842 (+) Hs TES; range -499 to 100.

AAAAAAGCAATTGAGGAAAGGCACTCCACAACGCAATATTGAATTTAGTGCCCAAGGT
CCATCACAGGAATCCCTAACGATCCCTACAATCTCTCTCTCTCTTTTTTTTCTCTCTT
TACCTTGAAAATAAACTGAGAGTATAGTATTGGGATAACTATTCCTTGACCCAAATAA
AAAGTCCTGGGCAACACAGGTACAAATTGCCAAATGGAAGGTTCTTCTCCATCTTCA
GCTAGAGGGAGGCTGGGGATCCCAGCTCTTTAGAAGCCGGCCCGTGGACGCCAGAGAAT
CCCTTCGAGAGACCAGGTACAGGTCAGGCTTGGCCAGCAGGGCGCCGCTCGGACGCC
GCCCCGCTCTCACCTTGCCAGCGCGCGCTCGGGCCGCGAAGGTGCGTGC GGCGCTCGG
TGATTGGCGGCGGGCCGGAGCTGCCCGGCTGCCATTGGCTGCCGGCCCCCTTTGTTCCC
GGGTCCGGGCGCAGGCCCCGCTGCGGGCGGACTGGGCGGCGGAAGTTCAGGCGCGCGGGC
GAGTGGCTGTTGAGCGGCGCCGCGGGAGTCCGCGAGTTTCCCGTGTTCGACGCGGAGCC
>EP73843 (+) Hs SMTN; range -499 to 100.

GCTCCCTGTCTGGTGCTCAGCCCCCGCAACCAGCCCAGAACCGAGGTACTACCTATTCTC
ACCCTGCCTAGGATCTGTGCAGACCCTGTCCCACCCAGTTGCTGACAGCCCTCCTGTTCC
TTCTAGAGTCCACCCCCCTTGCCAGCGGACCTTCTCATTCCAGCGGGCTGGCTCTGTGC
GGGATCGTGTCCACAAGTTACATCTGATTCTCCTATGGCTGCTAGGCTCCAGGATGGCA
CACCCAGGCTGCCCTAAGTCCCCTGACCCCCGCAAGGCTCCTGGGCCCCCTCCCTACCA
GCACCACCCCTGCCTCCTCCTCAGCGGCTCCTCCTCTCGGGGCCCCAGTGATACCTCCT
CCCGGTTACGAAGGACCAACGAGGAGTAGCCAGCCCCCTGGGCCAGCTTCGAAGCTGCC
CCAGGAGGAGGGCCCCAGGGGCGGGGCTTGGCTGCTAGGCCCCCTTGAAAACAGAGCAG
GGGGGCTGTGGCACGTTACAGAGAGCCTGGTGCCCCGCTGCCCGTGGCGCTCGGCACTG
CCGAGCCAGGGGCGAGTATGAAGACCACATTCACCATCGAGATCAAGGACGGCCGTGGCC
>EP73844 (+) Hs COL6A1; range -499 to 100.

ACGGCGAGGTCTCTGCAGGAGGCGGTTGGTGGAAGAGGCGAGTGAGCCTGCCCGTGCG
TCCCGCATGGAGACGTCTGGATTGGAACTACCGAAAGATGTTTCAAGGAACTCTCCCTG
GGTGACACGCTGGTTTTAGACGTTTGATTACGTGCTGCAGTTTCTCCTCCCTGACAC
GGGAACTGAAGTGCAGGCGCGGGCGAGCCAGGGAAACCGCTTCTCCCTGGGCTCG
GAGCTGCTGCCGGTTCTGGAGGGAGAGACCCAGCAAGGAGGTGGTGACTCATGGGCCGC
TCCTCCCCGCCCCGCCCCGCCCTCCCCCTCCCCGCCCCGCCCTCCCCCTCCCCGCCCTCCC
CTCTCCTCCCCGCCCTCCCCCTCCCCCTCCCCCTCCTCCCCGCCCGCCCCCTCCCCCTCCC
CCCGCCCCCTCCCCCTCCCCCTCCCCGCCCTCTCGCCCCGCCCTCCCCCTCCTTGGCCTCCGC
TCTCACTCTGGCTGGGAGCAGAAGGCAGCCTCGGTCTCTGGGCGGGCGGGCGGGCCCACT
CTGCCCTGGCCGCGCTGTGTGGTGACCGCAGGCCCCAGACATGAGGGCGGGCCGTGTCT
>EP73845 (+) Hs ATP6IP2; range -499 to 100.

GGAAGCGAGGGTTCCCCGTTGCGCTTGGCTTCTTCCAGTAGGTGCTCGGCGTCTGTAT
ACTTGTTAGAGCGAAACCCCAACAGCCCCGCCCTTTCACAGCTGGCGTCCGTAGCCGGC
GGAGGCACACGACCAGGAAAGACAGACACCCTGGTTGGAGACCGTCTGCTCGAGACTGGCA
GAAAGATCTGCACTCGGGAGGCACCCTACCCCGTGGGCTCCGGGACCCCTCGACTAGCT
CCATACCCATTCCGACTACCCGCCCTACGCTCCACCTCTTGACCCGTATCACCAGCCG
GGGGGCGGGACTGCCCCGACTTTTCAATCGCTGCCTACCATTGGTAGAACTCTCCATCCGT
TACTTTAAGTCCCGCTATCAGGCTGTGCTTCCAGGTTACGTCCCTTCCGTAGGCCGC
GGCGTAAGTGGTGATTGGTGGAGAAAGCGGAGCTGTCCAGCGGAAGCGACGAAGGGAC
GGGACCCGGGAGCCTGGACGAGTCCGAGCGGTACCTCCTCACGCTGCGGCTGTGCCCC
GTGTCCCGCGCGCCGTTCCGTGTGCCCCGCAAGTGTGCGGCCGCGCGGCAACATGGC
>EP73846 (+) Hs NOLA2; range -499 to 100.

AGCCTGACCAACATGGAGAACCCTGTCTCTAGTAAAAATACAAAATTATCTGGGCGTGG
TGGCGCATGCCGTGCAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAAGTAGGAGAAATCGCTTGAACCC
GGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGTCGAGATTGCGCCACTGTACCCAGCCTGGGCAATAAG
AGCGAAACTCTGCCTCAAAAAAGAAAAAAACGAGGCAGCCTTTCAGCACCCAGAGCCC
CGCCCTCTCCGGCCCCGATTCCAGGGCTCCGCCCTTGCTCACATTCCCTCCGCTCCG
CCCTAATCGTTCCGCCAGTCCCTTGGTCCGGGATGGCCCCGCCTTAAGGACCATGAC

TCCGCCCCCTCTCCGCTCTCCGTAGTTACGAAGCTGGGCGTCAACGATTGGGCTGAGTCGG
AGACTTCCTTTCTGATTGGCGGTGTTGTACGGCGGCTTCTCGCGAGCTGATGACCTGG
AAGTGATGCCTAAAGCTGTGGACCGGTGGGCTCGCCTCCCTGGGACTAGGTTTCAGCGG
CCGCTGCGATGACCAAAATAAAGGCAGATCCCGACGGGCCCCGAGGCTCAGGCGGAGGCGT
>EP73847 (+) Hs RPS27; range -499 to 100.

CTATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAAGTGTGACCTCAGGTGATCCACCCGCTTGGCCTC
CCTAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCACTGCGCCCGGCTAACTGTTAAATTAAC
CAATAGAAAAAGAGTTAAGAAATATAGGTATTTAAAAAATAGGACGGAAGTCTGGATATG
GCTCCTTCTCCCTGGTGTCTTCTCAACCTTCTCTATTTATTAGGCTCCAAGTGTCAAGG
TATGGCACAAAATTTTAAAGTGTCCATTTATCCCTGGATAGTGATCAAACGCTGACCTC
AAATTAGCAAGGTAACCTCTCAACATGGTGACGCATATGTGTCACAACTAACAGTTAAA
GACCTTCCGAAAATGGCAGCTCCCTTGTCTCCCCACTGCGGCGGATCAAAGTAAGACGTT
CCAAACATGGTGGCACAAGATCCTTGCCTCATTTCTGTAGTGTGCTCTATATAAGGGGC
AGGATTTCCGCTTTTCGCTCTTTCCGGCGGTGACGACCTACGCACACGAGAACATGCCTG
TGAGTGCTTTGGTCCAGGTTTCGGCGGAGATCTCGCTGTTCTGTCCGAAGTCTCCCTCA
>EP73848 (+) Hs RPS28; range -499 to 100.

TTTTAAGGGAAGGCAGGGGATGAACACTCGGGGAAACGGATGTGGGTCTGCAGGTGAAG
AGCAAAGCCAGAGTCCGGGCCACAGATCCAAGGCTAAGAAGGTGCGGGACTGGGGAAAT
CCCAGGCCTGAGTGGTTCCAGGCCAGGAGAGGGTCCCGGGCTGAAGGGGTGACTAGCTG
GGGGTTCCAGGGAGATTGCGGGAGAGCGAAGGGTCCCGGCTTAGGAGGGAGGTGAGGAG
CAGGAGCGGGTCCCGACACACGAGCCGAAGCCCCCATGGTGCAGCCCTGTCCGCCC
CGCGCACCCCGACGCCAGTTCCGCGAGCCGCTGGATGAGACGGGTGGCGGACGCCATCT
TCCGTCCGCGATACTGAAGGGCGCAGCCGGTGACGTCTCCACCGCTGGGGCTGCTGGGAA
AGACGCGGCGTGGTATCGCGAGACGGGAGTGGGCGGTGCTAGAAGTCTCTATAAAGGCTC
TCCCCGAAGCACGTGACTCTCTCCGCCAGACCGCCGCCGCCGCCATCATGGACACCA
GCCGTGTGCAGCTATCAAGCTGGCCAGGGTGAGGTGGGGGCCGAATTTGGGGGCAGGG
>EP73849 (+) Hs FADS1; range -499 to 100.

GCAGGCAGTAGTTTCAACCTTGAGGGTCAGCGTCTGGAGACCCCGGCCAAGGCATCCA
CAGCTAAAGATGATGTCCGCGACCGCCCGGGCAGCCTCGTGCACGGAAAAACCTCAACC
CCGGCCCCCGCCACCTTCTGCGGCCACCCCGCAGCCCTGGCCCCCTCAGTCCATTCCT
CCTGCAGCGCGGCCCGCACCCAGGGCTGCACTAGAACCGCTGTTCTACCGCGGCGCC
CCCTGGGAGCCAACGCCGCGATGCCCGCTGACGTGAGGAAGTCAATCCGGCGGCGACG
CCTTTAGGGAGCCCCGCGAGGGGCGGTGTTGGCAGCCAGCTGTGAGTTGCCAAGACC
CACCGGGGACGGGATCTCGTCCCCGCGCCACGAGGCTCGGCCAATGGGAACGCGCGCT
GCGAGGCCCGCGGTCTGCCCTGCGGTGCTGAAAACCGGCGCGCAGGCGGCTGGCTCTG
GGCGCGCGCCAGCAATCCACTCCTGGAGCCCGCGGACCCCGAGCACGCGCCTGACAGCC
CCTGCTGGCCCGGCGCGCGGCGTCCGAGGCCAGCTATGGCCCCGACCCGGTGGCCGCC
>EP73850 (+) Hs SDBCAG84; range -499 to 100.

CCTGCTTTCAGGGCGGACACCCTTACTTTACATCAGAATCATCCGATGCCATTCTAGCG
TTTCGGCTTCAGTAGGTGGGAATCAATTATTTGCATTTCTAATAGGTAATCAGTTGATAA
TGATGCGGCCGTCGGGTACACTCGAAAAACCACTGTTCCAGGATATTCCAAGATGTTCC
AAGAGTCTTAAACACCTGGTGCAATTCCGAGCACAAGGCACACGAACGTTGCTATTAGCG
TTTCTAACCCCGCAGAGAAGTCTCTGCACCCAGTCTCTAAAATCCCGCCCCGACAGCG
GAGGCCCGGGCAGTAGCTTCCAGACCAATTGCCCGCGCAAGGGGGCGTGGCAGCATCGT
TGGGCGGGGCGCCTGTAAGAGAACGCGGTAAAGGTGGGGCAAGCGTGCGGTTTGCTG
CGCTGCGTGAGGAAAAAGAGGGGGCGTGGCTCCAGGCCGGAAGAGGGAGTCTGTAGGG
GCGGGCCGGCTGGCGTCCCTTTCCGGCCGGTCCCATGGAGGCGCTGGGGAAGCTGAAG
CAGTTCGATGCCTACCCCAAGACTTTGGAGGACTTCCGGGTCAAGACCTGCGGGGGCGCC
>EP73851 (+) Hs ATP5E; range -499 to 100.

ACTGGGTTTCCAGGGTTTGTGCTACTCCGAGAAAGGGGGTGCCCTAAGAGCCTTTCTAA
ATCTCAGCTCTCAGGACACGCTTGTCTGTCCACAGATTTAAAAAAGCCGGCGCCGTTTCC
CTGAAGCGGGCGCAAGCCAGGCCCTCGGGGCGGCGTGGCCGCGCCGCTCGCGTCTC
GCTTCCCGAAAGCACGCGGCTCAGTGGTCTTAGCGAGCGGGGACACCCCGGCTTCTTG
CCCCCGTCTGTCGCCGCGGGGTAATACGGAAGGTGCGGGGACACACGCCCGGGAGCTCT
TGGAGCCAATAGGTGGGCGCGGCCGGCCGCCCGCCCGGGATTGGCACCCGAGTCCAG
ACCGCGCGCGCCATTGGCTCCCGGCGCGGGGGGCTTCCGCGGCAGGGCAGCAGGGGCC
GTGCTCAGGGGCGGGGCGGGGTAGGAGGCGGTGATTGGCAGGTCCGCACGCCCGCCTCT
TCCGCTTCTGTGGTCTGATCTTCTGCGGTGAACCGCCCGGCTGAGCCGACATTGCCGG
CGTCTTGGCGATTGCGCCGACGAGCTCCGCTTTCGCTACAGCATGGTGGCCTACTGGAG
>EP73852 (+) Hs ATP6V1D; range -499 to 100.

CGCTGAACGAATAGAGGCCCTCTTCATCATTAACCATAGAGTCTGGGTCTCCGAGAAC
AAGGACGAATGTAGATCATGGAAGGACCTGAAAAGTACTGTTTCTCGCTATCTTAGCTTT
AGCTAAGTAACCTTCAAGGCGCGAGAAAGACATAGGACTCCGATTCTTGCTCTGAAGA
ATGAATCCTCTTTCAAAGTTTCAGCTAACCATGAGATGGCGCTGTGACCAAAGACGAAAG
GTGGAGAAAGACAAGGCGTGACGCTTCGCTCCTAGTCTTTGGCCTGGCGGTGCCGCGT

ATTGCGCAGCCGACGGGAAGCTGGATGGGGAGGGGTTGGGAGGCGAACCGGAATTGAGGG
GTGGTTCCGCGGTGCGCGCGCCTCGACATCCGGGCAACGCCTCTGTTCTGTCTCCCCCT
TCGTGCGCTGTGACAACCGGAAGCGGAAGTAAAAATGGGTGTCCCTGCTGCCTCTTAGCA
ACAAGAGGGGTCAAGTGACACAACAGCTGACTCCCGTAGAGGAAGACACTGTGGAGGCC
AGTTCTGGAGCTATTGCAGCCTCGGTTGCCCGGCCGGGACCCGAGCCGAAAAGTTATCG
>EP73853 (+) Hs CBX3; range -499 to 100.

TTGTTACGCGCAATGACCCACCCCTGGCCCGCTCTGTGGAAGTACCCCTGGTGTAC
AGGAGAGTTTCGTGCTGAAAGTGGTCCCAAAGGGGTACTAGTTTTTAAGCTCCCAACTCC
CCCTCCCCCAGCGTCTGGAGGATTCCACACCTCGCACCGCAGGGGCGAGGAAGTGGGCG
GAGTCCGGTTTTTGGCGCCAGCCGCTGAGGCTGCCAAGCAGAAAAGCCACCGCTGAGGAGA
CTCCGGTCACTGTCCTCGCCCCGCTCCCCCTTCCCTCCCTTGGGGACACCGGGCGCC
ACGCCGGAACGGTAAGTGCCGCGGTGCTCGGCGCTCCGCCCTCCCCCTAGGGCCCCAA
TTCCCAGCGGGCGCGGCGCGCGGCCCTCCCCCGCGGGCGCGCGCCGCTGCCCCGCC
CTTCGTGGCCGCCCGCGTGGGCGGTGCCACCCCTCCCCCGCGGGCGCCCGCGCGCAGCT
CCCGGCTCCCTCCCCCTTCGATGTGGCTTAGCTGTAGGCGCGGAGGGCCGGAGACGCT
GCAGACCCGCGACCCGGAGCAGCTCGGAGGCGGTGAAGTCGGTGGCTTTCCTTCTCTCTA
>EP73854 (+) Hs HSPC177; range -499 to 100.

GGCGGACCACGTGGGCGGGGGCTCCGACTGGCGCGGTCTCCCGCCTGGCCGAAGGGCG
CGCAGCCGGGAACCCAGCCGCTCCCGGTGCGCTCGCGGTCTCCGCGCCCCCGCGCTGA
GCCAGGCCGCACTTGTGACCGCCAGCGATGGAAGCTGAGCGCGGCGTCTCACAACCC
CGCCGACTACTTCCAGCCCCGCCCCGGCTGCCGGCCCCGCTCGCCCTATGCCGCG
TTAGTTGCTCCAGGCCACCCACTCAACTGAGGCCCGCCTTGCTACAGTAAACCCC
TCCCACTCCTTCTACCAACACCCCGCCCCCTGCAGGCTCTCTCCGAGAGCACCAGTCCT
TTTGCTCTCCATCCCCGGAAGACCCGGTGAAAATCCGGAAGAAAGTGGGAAACGCCA
GGAGGCATATTGCGCTTGCGCACGGAGGGGCCGAAGTCGAGGCGGGAGTGACTCTGCTT
CCGTTTCTGGTTTTGCTCTAGTGTGTTGGGTTCTTCGCGCTGCTCAAGATGAACCGACT
CTTCGGGAAAGCGAAACCCAGGCTCCGCCGCCAGCCTGACTGACTGCATTGGCACGGT
>EP73855 (+) Hs PIGS; range -499 to 100.

GTGTTTGAGGCTTTGAGGAGAGGGCACCCCTAAGAGGAGTTCTACGATAAGGATAATAAGA
CCGTGACAGTTGACGTTGAGGGCTTCCGTGTGCCAGGCTCCTTACAAGAACGGCCTCAT
TTATGTAAATATCTCCATTTTCAGATGAGCCTCGGAGCTGCCTGTAGTTGCCAGCTAGT
ATTTAAGGACTGCAGAGTTGCGCTCTTGATTGCGGGGTAGAAAGTGTGTTCTACAGGGA
AGCGGGGAACCTCGTTCAGCAGCGCCGAAACCCGACGCCCCCTAGGCTGTCCCTCCGC
GCCCGGGTGACTTCTTTTCAGATCCCCAGCGAAGCTCCAGCGGAGCCCTCCACCCCTC
GCCCGCTTGCTCCCGTCTGCGGGTCTGGAGTAGCGCTCGCGATTGGCCCCGATCACCGCC
GCGGTCTGCCCTCTGTTGCAGAGATTCCGATTGGGTGAGGCTCACGAAGCTTGCCCC
CACGGTGGCCGAGCAGCCGGAAGCTAGCATGGCGGCCGCCGGGCTGCGGTACACACC
TAGGTGCGGTGGGCTTCGGGTGGGGGCTGCAGCTAGCTGATGGCAAGGGAGGAATAGC
>EP73856 (+) Hs CLN2; range -499 to 100.

AGCTACTTAAACTGGAACTGATTTGAATAAAAGGATCCTGGTCTTGCAAAAGCTTTAC
TCTGTTTCAATAATGTAGTCGTAATAAGACAAAATTGATAATATGGGGACATAAAGGA
TAAAAGAGGAAAAAAATTTTTTCACTGCAATCTTTCGAGGCAGATCACTTTTATATAAGT
CTCCATATTGTAATGCAGAAACCTAGGCTCTGAGAGGTTATTTTGCTGATGTCATACAG
CTAGGAAGAACCCAGTCTGTGGTCTCTACAGCCCACTCACTTGTTGGTGATTCCCAGGG
GACCAGGCTCAGGACGCAGGTGGGGAGCCCTGGGCTTACTCAGTGCTTGACTGGCCAGAG
GGGAGAATCCGGGTGGCGGCCCAACCTTGCTAGCATTTGGGACCACCCATGCAAGGGA
GGAGCCAGTACCGTCACTAGTTACTAGGCAGAGGGGTAGTGGTGGTGAATATAGAGCTC
ATGTGATCCGTACATGACAGCAGATCCGCGGAAGGGCAGAATGGGACTCCAAGCCTGGT
GAGAAATTGAGAGGGCTCGGGAGAAAGGATCACGTTGGAGGGAGCACACATTGGGAGGG
>EP73857 (+) Hs FH; range -499 to 100.

TTATTTTTAGTTGTGGGATTATGAATAATTACTATTTTCACTTATCTACACTTTGCTGCAC
TTCCCAAAATTTCTACACAGAAGATAAATCTGGAAGAAATGAAGAAAGATTTAGTAGT
AAGAACGTGTAATGAGTGATTACATGATAAATAAAACAATAAATATTTCTTTCTAGGATA
TTTCACCAACCAACACGACCTGATTACCAACTAATACTCCCGCCTTCTAACAGCCACA
CGTAAAAATCAGACCGGCTCCAAGAATAACCTGAGCCTCCTTTCCATAAATCCCTTCTT
TCTAGTTTCCCATGAATCCGAAGGCCTTACACCCACACTACTACTAGAAAGTTAACCCG
CCCCCTCATTCTTTACTGGTCATTACGATTGGTCTGCCCACTGTGGTGTGAGGCT
GTTGATTGGATAAGAGCGGAGCCGGTGGGCGGAACGGTTTCTGACAACCGGCGTGGAGG
CGTGGCCACAGCCGCCAGAAATTCTACCCAAGCTCCCTCAGCACCATGTACCGAGCACT
TCGGCTCCTCGCGCTCGCTGCCCTCGTGGGGCTCCAGCCGAGCCCTAGCTTCGGC
>EP73858 (+) Hs ITGB2; range -499 to 100.

TGGATGTCAATGCGTGACGCACCCAGGTTTTCTTGCTGTTCACCTCTTTATCCTCC
TTGGCTGGTTCTCCGCTCCATTCTCTGGCTCAGGAATTTGCTCCCCAGGGTTTTTCTT
CCGCTCTGTAGCAGAATGTGCTACTGTTGCTTTCCAGCATCAAATTTTCACTCCCATGG
CCTCTGTGTTCTTCTCTAATGGGTGCCCTTTCTGCCTGGCGCTCCTGGAGGCCGGGCC

CCTCTCCCAAGTGTGAATCTGATGGAAGCAGGTCCTTCTCGCCGGGACCTCATGTGAGAA
ATGACATGTCCACCTGTCTCAAGGGGCCGTCTCTGACATCAGAGCTGCTGTAGAGCGG
AGAGGGGCAGGGGTGAAGGGCCACGGTGGTGAACCCACCACTTCTCCAAGGAGGAGCT
GAGAGGAACAGGAAGTGTGAGGACTTTACGACCCGCGCCTCCAGCTGAGGTTTCTAGACG
TGACCCAGGGCAGACTGGTAGCAAGCCCCACGCCAGCAGGAGCACCGCCGAGGACT
CCAGCACACCGAGGGTGAGTGTGAGAGGCCCCGCTATGTCCACGGTGATTTTTGGAGGG
>EP73859 (+) Hs LPL; range -499 to 100.

AAACACCAGATTGTACAAGCACAAAGCTGGGACGCAATGTGTGTCCCTCTATCCCTACATT
GACTTTGCGGGGGTGGGGATGGGGTGGGGGTGAGTGAGGGAGGACTGCAAGTGACAAAC
AGGATTTCGTCAAAAGAGAGGTGTATTAAAGTGCCGATCAAATGTAATTTAACAGCTAAAC
TTTCCCTCCTTGAAAAACAGGTGATTGTTGAGTATTTAACGTGAATCGATGTAAACCTGT
GTTTGGTGCTTAGACAGGGGGCCCCCGGGTAGAGTGGAACCCCTTAAGCTAAGCGAACAG
GAGCCTAACAAAGCAAATTTTTCCGCTGCGCCTTTCCCTCTTCTCGTTGGCAGGGTTG
ATCCTCATTACTGTTTGCTCAACGTTTAGAAGTGAATTTAGGTCCCTCCCCCACTTA
TGATTTTATAGCCAATAGGTGATGAGGTTTATTTGCATATTTCCAGTCACATAAGCAGCC
TTGGCGTGAAAAAGTGTGAGACTCGATTCCCCCTCTTCTCCTCCTCAAGGGAAAGCTG
CCCATTCTAGCTGCCCTGCCATCCCCTTAAAGGGCGACTTGCTCAGCGCCAAACCGCG
>EP73860 (+) Hs CPR2; range -499 to 100.

TTTCGTTTGGGTATCCTGCACTTTACTTTGTAATTAACACCACTATTTAAAAATCAGG
AAAATTGCACATAAAAAATCCAGCTGCAAGTGGGCGCTCTGGAGTTCCCCAGTCTCCACTC
ACTCGTCTCCAGCCCCACAGGCTCAACGTGCGCTATCCCACTCCACCAGCCAGTC
TTCCACCGCCCTAGGAATCTCTACGCCACGCAAGCAGGGAGGGATAGGGTGACAGCA
CCGACAACAAAGGGTCTGCTCCCGCACTCCGTATGAGGATGGCGTACTGGTGGGGGGCA
ACCGAAGCCTTTCTTCTAGGTTCTTTATCTTTCTAAGTTTCCCATGACCTATCGCTCC
GCTTGAGCCCTCAGCAAAGATGTCACCCGCCGAAAGGTGTGGCCGGAAGCTGGAGGCGTG
GCTTCCGGACGTGCGGGGCGAGGCTCGTCTCGTTTCCGCCGGCGCTCCGAGTGACGTAGG
GAAGCGCGCCGCGCACCTCATGGTTCGGGGGACAGTTAGGGCGGCGGATGGAGGTACGCG
GTGGTGCTCGCTGCGTAGGCTTGTGGCACGGGGAGAAGGGGCGGCTGATCGTGGGTTTC
>EP73861 (+) Hs PP1201; range -499 to 100.

CCAGTAGGAAATTAATTTAATCCGCATAGCCATGCAATGGAATACTTCACGGCATTAAAGA
TTGTGCTTTTGAAGACTATTTAGTGAGAAGAAAAATGTTTCATATAAAACAGTAAAAAGA
AGGGCAGTAACAAAACACCATAACAATATACCCCACTGTAGAAAAACAAAATACATACAG
AAATGTAATAGCCAAAGAAGGACCCAAAGCGAAGCTTCCCCCTGGGAACTAGGAGGGGT
GGAGAGAAATTAATTTCTTCCCTGCATTTCTGTGTCTTTTCTAGCTTCTATCAGTATCA
TGTATTGCCTTTAAATCCGAAAAATACCCCTGTGTTATTAGTGAGGCGTCGTCGGGGCTCT
GAGAGGCGCGCGCGCCCGGACAGACCCCTGCGCCCCCTGGCGGCGCCCTGAGGCCCCGC
CCCACGAGGCCGGCGGACGGGGCGGGGCGGAGCCCCAGCCGAGCCTAGCCCTGCCCG
GCCCCGGAGGACTTGCAACACTCCGAGGCCAGGAACGCTCCGTCTGGAACGGCGCAGGCA
AGCCAGGGGGCCGGGGCCGGCGCGGTTGGGGACTGTGGGCGGTGGGGACTGGTCCAGGGC
>EP73862 (+) Hs TGLN2; range -499 to 100.

GGAGGGCCAGGATGCGAAGGCAACGCTTTGCAAGTGATCGGATGGATTTATTTCCACATG
GGAGAGACCAGAGCACAGCAGCTTTGTGTACGGCCAGGAGGGAACCACAAAAAGCAGA
GGATAGAAACGCAAGCACACGATGGTGGTGGCCAAGAGGAGCCTGCCCTAGTGACCTCA
CTTCCGCGGCCAGTGCGAGAGGCGAGGGAGCTCCAGCTCTGCCTGTAAGGTCTCGGAAGT
ACGAGGCGGAGGGGACGAAAAACGGGGGCCAGACTGTTGTGGCTGTGGTGGAGACGAGA
AACCAGGAAGAAGAGGCTCGCTCCCACTCGGCGACAGTAAGCGAAGCAGCCGAAGGCGA
GCGCCGACATCAGCAGCTGCCCTAAATCCCGCCCTTCGTCTTGGCGGCAGCGGGAGAC
TGAGAGACGCGCGCAGCAGGGGCGGGACTGGAGAGGGGCCCCGCGCGCGGATCTCGCGAG
AGCATTAGAGGGCGGAAGCGCTATCCGAGCAGGATGCGGTTTCGTGTTGCCTTGGTCCTC
CTGAACGTGCGAGCGCGGGTAAGACCCCTCCATCCCGCATCCCACTTTGCCCCCAGATC
>EP73863 (+) Hs PEPD; range -499 to 100.

CTGGACGCTGCACATTTAGAGTCCTCAGTTGCCCCACGGCCTTTGCTCAAGCCCTTTCC
CTTCTTAAACAAAAATCGCCACCTCTGCCCGACCTAGCCTGGGTGAGTCTCCCTCCTC
TCCTCCACGTGGTTTCTTTATCTATGTGTTCTTCTCCCGGGTGGGTGGTACGCCAG
ATCGGGGACTGAACCAGAATCAAGATGTCTCTGCTTCAGGACCTCCCTCCCACCACGAA
AAGGCTGCAGATGCTGCCCGTAACCCGACCTACTGTCTGCAGCCGGCAGCCCGCTCATT
TATCCTGGCCGAGCTCTTGGGCCCCCAATCTCCGGGAGCCCCGCCCATCGGGGCTCCGC
CCTTCCCCAGGTACCGCCCTTCCCGTCCCGTGGAATTTGGCTCTGGAGGAGGTGGGTCA
AGGACTCCATGCCCCGCCCTTGCCCCGCCCTTACCCCGCCCCATGCATTGGCACCCGGA
GGGGCTCAGCTGACGCCGCACTTCACGTGACGCCGTTGCCGGGCGAACATGGCGGGGCC
ACCGGGTGAGTGCTGCGCTCCCTCGCTCTTCCCGTGGCGTGAGAGGGGCATGGGTG
>EP73864 (+) Hs CYP3A5; range -499 to 100.

GTAGAGAGAAAAAGAGGACAATAGGACTGTGTGAGGGGGATAGGAGGCACCCAGAGGAGGA
AATGGTTACATTTGTGTGAGGAGGTTGGTAAGGAAAAATTTAGCAGAAGGGGTCTGTCT
GGCTGGGCTTGAAGGATACGTAGGAGTCATCTAGAGGGCACAGGTACACTCCAGGCAGA

CTGGGATTTATGGAGTGACTCTTGACTTGTCTAGATGAGTGCTCCGTAGAAGAAGGGGAA
TGATGGGAAAAGACCTCAGGAGGGAATCGATCTGGACACAAGGAGGGGACCCCGGACTGG

GATTCTCCTGCCTTAGCCTCCCAAGCAGCTGGGATTACAGGCACCCGCCACCATGCCCCG

CTAATTTTTGTATTTTTAGTACTGACGGGGGGACGGGGGGCGGGGGGGCGGGGGGACGG
GGGGCGGGGGGGCGGGGGGGCGGGGGGACGGGGGCGGGGGCGGGGGGGGGCGGCGCG
GGGGGGCGGGGGGGCGGGGGCGGGGGCGTTTACGATGTTGGCCAGACTTGTCTTGAAC
TCCTGACCCAGGTGATCAGCCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGA
GCCACCGCGCTGGCCAGTTGCGGATTTATAAAAGCAGTCGCTTAGTAACCTGCAGCGGC
TACATCAACTTTGGACCAATTCGAAACTGCTGGTGTAAGCGTTTTTTCGCGATGTGCTG
TCGCCTTGGGGAAAAGGAGCCTTTTTCTTCGACGATTTCCGGGCGACGCAGGAAGTGGC
TCCAGGGCGACGCGCTTGTTCGCGGTAGTCAGGGCAGTTTCTACCGCAGGCTTAAG
GAGGCTTCGGGCTCCTGGGATTTCTGTCCGCGCTCCTGGCCCTCGTCTTCGCGCCAGAG
>EP73877 (+) Hs EIF3S3; range -499 to 100.

GATAAAAGTTTTCTATGTCTTAATTTCTATATAATCTAAGTGTTACAAGCAGCTATCTAA
AATTACGTAAACAAGCTGTGCAATACTGGCTCATCGCTAATTAACAGAATAATGTCGGA
CAAATCACTTATCAGTTTTCTAATATGCATAATGCGAGTTAGTACAGCACTTCATTGCAA
GATCAGAAATGAAAGCATTTTTACATAAGAGACACTACAGAAATAATGCGAACTGTAATG
CTATTATGACGGTTTGCCTAGTGGTGAATGATTAAACATTTAAAAAGTTTACTTTTCATCT
TAGATCATTCCATCGGAAAGAGGTGAAAAATGTACAGTAGGCATGCACAAAGGATAACCGC
CTGGAAAGAAAGTAAAACCTGAAAAACAGGAGGGAGGGCGGGCCCAATTTTGGCTTCTCT
TCCGTCTCCGCCCTCGAACCGCCGCTGCGAGTGACGTACGCGAGACTTGTACTTCCG
CTTCCGGTAACTCACGTTTCTTTCTTCTGTCTGCTTGGAAAGATGGCGTCCCGCAAG
GAAGGTACCGGCTCTACTGCCACCTCTTCCAGCTCCACCGCCGGCGCAGCAGGGAAGGC
>EP73878 (+) Hs AP1S2; range -499 to 100.

CACTCCCTCGTCTCCTCCACCTCCTCGTCAGCCGTCACACTTCACACTTCCTCTCTGG
GGACACAGAGAATCATTAGAGCTCGAACGTGGCTCTTCGCTGTCCGGAACCTCCCTGCCC
CGCACCCCGCTAGGCTAAGGACGCTGCAGAATCCCGTCTCTATCATTAAACAAGCA
GGACAGCCGCCCGCGCGCTCCCGAGGCACCTGCAAGAGCGCGGGCGCGCGGGCGCT
CGGGCCCGGCAACGCGCTTCCGGGTACGTGGCCCGGCTTCCGGTTCGCACCTCCCT
CAGCGAAGAAACCTCCAATCGGCTGCCTTGGACTCAGCGGTTACCCGCGCTGCCTCCGGT
GCCGCTGGCGACCGCTGAGCCGCTTCCCGCGCTCGCTAGCCCGCCCTCAGCTCGCCG
CAGCCCCGGCTCCTCCCTCGTCCGGCCCCCGGGGCGGGTCTGTACGTTGCCCTCCCT
CTCCGCTAAGCCTGCCCTATGCCAGCCGGGTGTCTCCCCACAGCACCACGGCTTCTCT
TCCTCAGCACGGCGACAGGGGCTTCCCTTCGCCGCCGCCGCCGCCGCCGCAAGTCC
>EP73879 (+) Hs EIF2S1; range -499 to 100.

ACTTCCGCTTCCGGTTGTACAGGCGACGAAGGGGAGGACAGAAGGCGTTGCCCG
GATGTCGAGGCGCGCGCACCGCGGAACCAACCCCTCAATTCGGTTTCGCTCCCAACCCCT
CCCCATCCAGCTTCCCTGCGGCTGCGCAATACGCGGCACGCGCCAGGCCAAAGACTAGGA
GCGAAGCGTGCACGCTTGTCTTTCTCCACCTTTCTGTCTTTGGTCACAGCGCCATCTCAT
GGTTAGCTGAACTTTGAAAGAGGATTCTTCTCAGAGGCAAGGAATCGGAGTCTATG
TCTTTCTCGGCCTTGAAGTTACTTAGCTAAAGCTAAGATAGCGAGAAACAGTACTTTT
CAGGTCTTCCATGATCTACATTCGTCTTGTCTCGGAGGACCCAGACTCTATGGTTAA
TGATGAAGAGGGGCTCTATTCTGTTAGCGCTTGCATGCGAGGAGGTTCCGCATGCGC
GGTGGAGTGAGCGAAGCGCACGCTGAGGAGGATCGGCGGCCGGTGAGGGGGAAGCAAGTC
TGGTCTCTGTGATTGAAGAAGTCGGCTCTGGGCTCAGTGCGGGAATCACACACATACCT
>EP73880 (+) Hs RPL35; range -499 to 100.

GGAGTTGGATTATAACTGCCTGAGCCCGCCCTCCCGTCCATCTCGCGCTTTAAATTCCT
CCGCGACGTGAGCTCGGTTAATCGTCTTTGAAAACCTCTGGCCCTCTCCCGTCAGCAC
CCCCAGACTACTGGCGCCAGCTCAGAGTTGCCAGATTGGGAGATCTGCAAGGTTTCCC
GAAGGAATGAATGAACGAATGACTGAATGGACGAATTTAGTCTCCTCGTGTGCCATCTCT
GGTAGCTGCCGCCACGTTGGGCTCGGTTTCCCCAACTGCGCGCTACACCGTGACGCC
GACCTCGTATCAGGGGTCCGTGAATGAGGCGAGCACTACAAGGCGGGGCTCCGGCCCT
ACCAGGCGGGGCGGGCAGTACCACGCGTTCTCGGGGCGGGGGAGATGAGGCGGAGCC
GGGCTCCCCGCTGCGGCGCCATTGGCCGCGCCCGCCGCCACCCGGCAGTAGTTGCGGA
GGTCAGCCCCGCTACTTCTCTTTCCCTCGGAGCGGGCGGGCGGCGTTGGCGGCTTGTGC
AGCAATGGTGAGAGCTGCGGAATCGGGCGCCATCCGAGCGCTGTGAGGCGCGGGGTTGG
>EP73881 (+) Hs ODC1; range -499 to 100.

GGGGCCACGTGGCCAGCACATCGGTCTCCGCTCGCGATTTCCCTTTTCCGCTCTCGGG
CACGAGGTACTGAACGCCAGGTGGAAGCACAGCTGTGCAGCTACAGGCTCTGCCGTTTCCAG
CTGCCGCGGGCCGGGGCCGGGGCCTGCGGCGTCTGTGCGCTGCGCGGACAGTTCCAGGC
GGGCGAGACCGCCGAGGGCGGGGCGGGGCGAGGCGGCCAGGGCGGGGAGGGCGGGGA
GAGGCGGCCGAGGGCGGGGAGGGCGGGGCGCGAAGCCGGGGGCGGGGGCCACGCGTGGG
GCAGGCGGTGCTCGGCTCGGCTGACGTGCGCCCGCGGCGCCCCACCACTCCGCGCGGG
CCCGGGTTGGCCACCGCGGGCCCCCGCCCTCCCCGGCGGTGTCCCGCGCGGAACCGA
TCGTGGCTGGTTTGAAGTGGTGCGTCTCCATGGCGACCCGCCGGTGTATAAGTAGGGAG
CGGCGTGCGTGGGGCTTTGTAGTCCCTCTGTAGCCGCCGCCGCCGCCGCCGCCGCC
CCTCTGCCAGAGCTCCGGCGCCACCTCGGGCCGGGCTTCCGGCGGGCGGGAGCCAGGC
>EP73882 (+) Hs DSIPI; range -499 to 100.

AGCTGGCTGGTGAGGGGAAAGCTGAGTTGATTAGAGAGTGAATGTGCAGGTGACAAAGTA
TGTGTGCAGGGGAGAGACTGAGAGGGCAGTGACTGGGAAGAGGGTGAGCCGTGATGGTG
AGGGCGCGTGTCCAGGGAGTATGACATGGGAGAGCATGCAAAGCCATGGGGGCATGCTGG
CTGCCACCTGAAGAAGAGCTTTTCAAACCTAGCGCTGTTCTTTACTGAATGCCCTCTGCCT
CTTGTTAGGGCATTGTATTTCTTATTTCTCTAGAAATCAGCTCCAGTTTGGTTTTTATC
GATCTCCAGAGCCTTCTTTGGAGATGCCAGTTGGTACAAGAAAGTGCTGAAGTGTGTACA
GTCCCAGCCTAAGGTTTCAGGGAGGGGATGTGGTTAACTGGGCCACAAAGCCCGGTACAG
GACTCATTTGCATGGCCCTGACGCCATGTGACGCAGCCGGCTCCTCTATATAAAGAAG
CAGGAGCCAAAATATCTCCGAGTCTGGGTTGGACTGGCGGCCGTGGAGTTTGTGACATAC
GAGGTGACACCCCTCGAGTCACTTCCCTTCAACTCCAGCTGGAGCGCCTGCTTGGCTTTG
>EP73883 (+) Hs KRT18; range -499 to 100.

AAGTAGCTGAGACTACAGGCGTGACCATCACGTCCGGCTAATTTTTGTATTTAGTAG
AGAGGGGGTTTACCATGTTGGCTAGGATGGTCTCGATCTCTGACCTCGTGATCCGCCC
ACCTAGGCCTCCCAAAGTGCTGAGATTACAGGCGTGAGCCACTGCGCCCGGTCAAGACTC
CCAAATTTCAAACCTCGCCAGCACCTCCTCCACCTGGGGGAGAAGAGCATAATAACGTCAT
TTCCTGCCCTGAAAGCAGCCTCGAGGGCCAACAACACCTGCTGTCCGTGTCCATGCCCGG
TTGGCCACCCCGTTTCTGGGGGGTGAGCGGGGCTTGGCAGGGCTGCGCGGAGGGCGCGGG
GGTGGGGCCCCGGGCGGAGCGGCCCGGGGCGAGGGCGCGGGCTCCGAGCCGTCCACCTG
TGGCTCCGGCTTCCGAAGCGCTCCGGGGCGGGGGCGGGGCCTCACTCTGCGATATAACT
CGGGTTCGCGCGCTCGCGCAGGCCGCCACCGTCTGCGCAAAGCCTGAGTCTGTCTTT
CTCTCTCCCGGACAGCATGAGCTTCAACCTCGCTCCACCTTCTCCACCAACTACCGGT
>EP73884 (+) Hs LIPA; range -499 to 100.

TTCCTCTTTTAAACAATCTTTAATAATAAAAAATTTAAAGCAGCAAGATTGCTTTGC
ATCAGGCACAATGATAAGCGCTTTAAATGGAGCCCATGATTCATTTTATAGAGCC
CACATGCTCTCTGTGAGGCGCAGAAGGTGCCAGCCCTGCAGGAGCTTCGGGGCGGAGCA
GAAGGCCGCCTAAAACAGCCTTTGCTAAGAGAGCATGCGTAGGCGACGCGCTGGTAGAGC
TGTGGACCTGCCAGCCTGCGAGGCGGAGGACGGGCTCCATCTCTTAGAAACGCCTACGGC
GCATGCTCTATGGGGTCAACTGGGGGGCTGGCAAGCGGCAGCGCTGGTCTGGGGCGGAGT
CTCCGAGGCACTTCCCGGTGGCTGGCTGCTCTGATTGGCTGAACAAATAGTCCGAGGGTG
GTGGGCATCCGCCCTCCGACAAGGCAGACCAGGCCCTGCAGGTCCCTATCCGCACC
CCGGCCCCCTGAGAGCTGGCACTGCGACTCGAGACAGCGGCCCGGCAGGACAGCTCCAGGT
GAGAGTGCCGGCGCCGCGCGCTGCCAGGTGCGGGTGCGGCGTGGAAGCTGGTGCCTTCA
>EP73885 (+) Hs NOSIP; range -499 to 100.

CTTAGTCCCTGGGACAGCTGGGCACTGCCGAGTAAATCCCTGTTTCTGAGAGCGACTT
GAACGGCTTTGATTTTCAATTTCCCAATGGCTCTGTCTGTAAAATGGGAGCGTAGTTGTC
TCTTCTCAATTGTTTAAAGATGCAGCAAGAAAAGTGGATGATATATTTGGGAAAGTGGGC
TTCCCGATCTCTAGGGGAAGTGATTAGTCTTAAATTTGGGCTTGGAGAGACTCAAACC
TGGGAACCAAGCAGGAAAAAACGATCTCCCTGGGAAATGCCTCGTACATAGTAAGCGTTC
CCCATATTCCCACCAAGTTTCAATATCCGGAACCTTCGATTAGCTACTCACGTTTCCGGAG
AGAGAAAGAGAAGAGAGGACTTGAGCAAGCCAGGCGAGGCACTTCCGCAACTAGGGGCAG
CTCTACTTCCGGTGCCTTCTGCTGGGCGGAAGTGGGCGGAGCGGAGGGGGAAAATAGTGC
TCCTTTCCGGTGTGCGGGGCACAGTTGAAGAAGCGACCGAGGGACTGGGAGTCGTTAGTGA
GGTGAGTTTCGAGGCGGTGCAGGAAGAGTGTGCTGGGATCGCTTCTCGCGGGCTAGAGG
>EP73886 (+) Hs CRYL1; range -499 to 100.

GCACGAGGGCATTTCCTTTTTCTGATACATAAACCGAGTGACAGAGTGTGCTCCGTGGAGG
AATTACAGACGTGCTTCCGTAGCGCAGATGAACGCATCAGGTGTTCTCTTTCACTGCTG
TCGCACTCCCTGCGCCAGTTCGAGTTGGCGGCAGCGGCAGGCGTCTTTCAGAGACGAA
TTAGCAAAGGGGACATTCTCTGACAGTTTCTTAGGGTGCTTTAGCGCTAGAGCCCGTGC
CAGCCTGCCGTGTCCCCTCTATAGACACGGAAGTTCACGGTGAATGCTGACAGTCACAA
GCGCGTGGTCTTCCCGCTTTCCACCCCCGACGTGCCCGCGCTGGTCTGCCCCCTGCC
CACGAGGGTCGGGCGCGCGTGTGTCTCCCGGTGTCTCGGGCCCGCGCGCACCCCACT
CAGGGACCAAGCGGCCCTCCCGCCCTCCCGGTCCGCGCGCGCAGCCAATGGGCGCGGGA
CCCGCCCTCCCGGAGCCAGAGCTCGCAGCTCCGCGGCGCCTGGTCCCAGCGCCCGCG
GCGCCGCGTCCCGGCCCAACCATGGCGTCTCCGCGGCCGGCTGCGTGGTGATCGTTGG
>EP73887 (+) Hs RDH11; range -499 to 100.

TGGACTTGGGTCTGGGGAGATAGAGGACTGCAGAGATTTACAAACACCGCGGTGCCTAG
TACACTATAGGAATAAGTGTACTATTCTATAGTGATACTTTTTTTTTTCCAGAAAAAT
CCCTCTGGGGTATGAGCACTATTTTCAGTTCTGGTTCAACTTTTCATTGAGATTCTATGT
GGATAAGAGGATCTTGTAGTGAAAAAAGATAAAAAGCAGTGTTTTTCATCTGAGTGTGAG
AAACCATGTGTGCTAGAGGTGGGAGAAGTGAAGTATTGAGAAGGCAGAAAAAATAACTGA
GAGCTGGGTGAATGATCCACAGGCCCTAAGCCCTAGATGGTTGGGGATTAGCGATGTAT
AATTCAACTTCTGCCAGCGTTGGCGGCAGCGCTCCACGTAGCCAGCCTGAGGCTGTCAA
GCTCTGGAATACATTTCCAGAAGGTCTGCTCCCCGGCTGTGCAATTTGAATTGGGGC
GTGTCTAGAAAGAGAAGCCATAGTCGGCGAGCAACGCTGGAGCATCCCGCTCTGGTGCCG
CTGCAGCCGGCAGAGATGGTTGAGCTCATGTTCCCGCTGTTGCTCCTCTCTGCCCTTC

>EP73888 (+) Hs C200RF43; range -499 to 100.

TTGTGAGTGCCTTGAGTCACAGTTGGCGCTCAAGAAAGATGCGTTCTCCTTTTAAACACAA
AAATGTCCATTGATACAGCAGATTCCGTTTCATAGGCATCCTTAATCGCAGAAACAGGAGG
GCGGCCCTTTTCTCAAGGCGCTCTCAGTCCAGGGATGTGCCCGCTCCGCAGCCACACAA
GCTGGCGTGGGATAGGGTCAAAGAGCGGTGGATGCGCACGGGCCGCCACGCCCTCGCTG
CCCTCCCGGAGCGTGGGCGAGTGATTCCGATTGTGCAGCAGAAACCCAGGGTCTCACGGG
AACGAGGAAACCCGCCACGCCAGCCTCCAAGCGACGCTCTCCATGACAACCGGCACTT
GGTAACGGCCTCGCCTGCCCCGCTACGCCGCGCCTAGCGTGCCGCCCGCCCCGCCCG
CTACGCCACGACCAGCGTGCTGCGTCACGGCGGTGCGCCGGAAGTGGTGCGGATTTTCG
CGAAATCCCGAAGTGACAGCTTTGGGGTTTGCTGCTGGCTCTGACTCCCGTCTCTCG
ATGGGTTGCGACGGGGGAACAATCCCCAAGAGGCATGAACTGGTGAAGGGGCCGAAGAAG

>EP73889 (+) Hs FLJ10298; range -499 to 100.

AATTATGGAAGAGGATTCTCAGAACTATGCCCCAATAGGATGCACTATAAGCCCTTGA
ACATCAAAAACTGCTCTCAGTGTTGCTCTGAGGAGGGAGACTAGGAGACTGGGGCAC
GGGGGTGAGGGGTAGACTTGTCTCTGTGTCTATTTTTGTACTGTTTGACATTTTCCCAT
GTGCATTTATTTAACTTGCAGGGGCCGAGGCAAGGTCACCTGCAGACCCCTCGGGCC
ACCAGCAGGGAGGCACGCACTCCCCCTCGCAGCGCGCCAGCCCGGGGTGAGCGTGTGG
CTGAGCTGGGGGGGAGCGCGGGCGGTGGGGGGAGCCACCTCCCTGCGGGGCTCAGCGCT
GGGGCCGGGAGCCCGAGCCTCCGCGGGGAGGGACGCGCTAATGTTGCCGGGAAGCAGCT
CCGGGTTGCAGGGCAGGAACGTGCCCTTCCCCGCGGCAAACTTGCCGTCTGTCGACGG
AAGCAGGAACCTGCTAACCACAAAACCCGCCAGGCCGCTGCGGGAGCTGCGGAGCATCCG
CTGCGGTCTCGCCGAGACCCCGCGCGGATTGCGCGGTCTTCCCGCGGGCGCGACAGA

>EP73890 (+) Hs URKL1; range -499 to 100.

TGTAACCATATATATACATATATATTCTATCTACAAAGTGTATTTTGTGCGAGATGTTT
CAACGGTGAGTTCGGGCCCCCGCCGCTTGTGACCATCTGTCCCCGGTCTCGTCCCCGC
CCCGCGCCCTGTCTCCGAGTGCGGTGGGGACGGGCCATCACTGTATGTATTAATGACT
GTATCAAATAAATGTTTATTGATTTTTTCCAGGGTTTTTGTGCGGCTCAGTTTGTGGTG
AAAAACAGGGGGCGGGGCCCTCCAGGCACGTGGCGGAGGCTGCCGAACACGGGTCCCC
ATGCCCGCGCGCGGCTTGTGGGGCTTGTAGTCCGCGACGCGCGGCTTGTGGGGCTT
TAGTCCGCGACGCGCGGCTTGTGGGGCTTGTAGTCCGCGACGCGCGGCTTGTGGGGCT
TGAGTCCGCGACGCGCGGCTTGTGGGGCTTGTAGTCCGCGGTGGGCAAGAGAGGGACC
CGCCAGTCCCGCGGGCCATGCGCGCCGCCGCGGAGGCCCGCAAAGAGGCCTCCGAGC
GCCATGGTGCAGCCCCGGCCGCGGACGCTGATCCTTCCGCCACGTGCCACCTACG

>EP73891 (+) Hs CMAS; range -499 to 100.

ACGTTGAGTTTAAAGGCGCCTGTAGGATATTGAATGAGCTGGTCAGTAATTTCTTGAAA
AAATGACCCAGGGGCATTAAAAAAGGTGTATGTTTAAATGTACATTTTAAATATAAA
ATGGATTCTGTGTCAGGGTGCATCAAGGTATGCAACGGGAAACCCACCACAATTCTAAAGT
GGGGAAGTTCTTCAGCAATTATAATACTTTTTTCTTTTTTAATTTTAGAAATTTACAG
ACACTTGCAAGCACCCCAAAGCCGCACTTCTCAAATATCTCTGGACTCCCACTGCTT
GACTTAGTTTTGGGGTCACCTCATCAGAGCCTACTTGGCCTACTGGCCCCAGACGAGCG
GCCGCGGACTACAATTCAGCGAGCACCGCGAGGGGCGGGGAGGGGCGGGGCGAGGG
ACGGCCGCGCGCGCCAGCTGCCAGGCGGGGATCGGGCGGCGCCGAGCTGAGGTGGTGAGG
GACTAGCTCCCGGATGTGGAGAAGCTGGGGAGAAGGCGTGGGAGGAAGATGGAATCGGTG
GAGAAGGGGGCCGCCACCTCCGTCTCAACCCGCGGGGGCGACCGTCCCGGGGCCGCGCG

>EP73892 (+) Hs ZNF9; range -499 to 100.

AATACAAATCTCAGAGGCTGCATCCACAGCCGTGACCACCGTGACTTGGCATCCCCTTT
TCTGCAAATTTAAATGTTATCTAGAAATCGGGCCTGGCTCTGAAAGCCAAGGGCCTGGCA
GGAGCCCCGAGAAAGGGGAGAACTTTCTGCGGCCCAAGCTAATGGCAGTCACTGCACCG
AGACCCCTCCCTGGCATCCCTTTGCTCCAGCTGGCCAAGACAGACCACCAAGGTCAGCC
AGATTTCCACCCAGTCTGGCCGGGCCCGGACCCAGCTGGGAATGAACCGAGAAGCACCGG
GACCCGGATCCCGCGTGAAGGCGCGCGCGGGGACGCGGGGAAAAGACGCTGCGCGC
AGAAAACCCGCCCCGCGCGCTCTAGTGGGCGGCCCTGCCGCGGGCGGCTCTGATTG
GACTGCCGAACCCCGCGCGCTGATTGGCCGCGTGGGCGAGGCGGAGAGCCGTGCGCA
GCGGCGTATGTGGGGCGTGTGACAGCCCGCTGTGGCGCAGGCAAGGACCTCAAATA
AACAGCCTCTACCTTGCAGCGCTTCCCCAGGCCTGCGTCCGAGTCTCCGCCGTGCG

>EP73893 (+) Hs PHGDH; range -499 to 100.

CATGAATCATCATTTTTTATGGCTGCATAGTATTCCATGGTGTATATGTGCCATATTTT
CTTAATCCAGTCTATCATTGTTGGACATTTCTTTTTGATAGTCGAATTCCTTCAACGT
CTAGCACAGTGCCCTGCACATTTACCACTCAAAAAAATTTCTGTAAGGAATTAATAAAT
GAATCCTTAGGAGGAAAGTGAAATGAAGTTTTTCTCTCAGGATGAGGTGTATTTCTCC
GTTTCATTTAGATATGCATCAGCTAGTCAGCGTAAATTGTGCTTTTTATATGCTCACCAG
GTGTAGGTAAGAGCTTTGGCTGAGATGGAGAAATTCATCGCGGGAGGATAATAAAGCGGG
CAGGGATTTGGCAACCTCAGAGCCGCGAGGAGGAGGCGGAGTTCGCGGAGAGTTTGAGTAT
TTCCGTCCAATCAAAGGAGACTGTAAGAGGAGGAGGAGGAGGAGATGACTGGGGAGCGG
GAGCTGGAGAATACTGCCAGTTACTCTAGCGCGCCAGGCCGAACCGCAGCTTCTTGCT

TAGGTACTTCTACTCACAGCGGCCGATTCCGAGGCCAACTCCAGCAATGGCTTTTGCAA
>EP73894 (+) Hs TRAP1; range -499 to 100.

GTTTTGGAGTAGTAGCCAGTCAAGCCTGGAATCCCCTTCATTCGCTTTAGCTTTTTG
TCCAGTCTTGGTTTGCAAGAGACTTGCAGCGGCTAGACGGATGGCCGGGATTACAAAAG
GTCGACAGACACGGGAAGTCTTCTTCCCCAGCGTCGCTCCACACCCTCGCGTGGATACT
GACATCCGCCCATTCAGGAATGCGCACAGCTAGGCGCAGCCGGCCAGCGTGGGCCGGG
GGCGGGCGGGCCACCTCCCCACCTCCGCGCGCAAGGCCGTCGCCCTTGACAACCGCAT
CCAAGGTCACGGAGGTCCCACCCCCAGGCCGACCGTCCACGAGACGGGTAGTACCCCGC
CACGCGCCCGAGCAGGCAGCTGCCCCGACAGCCCGCGCGCCGCGTGACGTCACCGCCCC
GGCCCCGAGGAAGCCCCCGCCCGCGCAGCCCCGTCCCGCCCCCTCCCATCGTGTACGGTC
CCGCGTGGCTGCGCGCGGCGCTCTGGGAGTACGACATGGCGCGCAGCTGCGGGCGCTGC
TGCTGTGGGGCCCGCGCTGCGGCTTTGCTGCGGGCGCGGCGCTGGCGGCCGTGCCGG
>EP73895 (+) Hs RNF13; range -499 to 100.

CCCCCGGGGGGAGCCCGGCGAGCCGAATCTTGGGCTACTCTGTCCCAACAGCCGGAGCA
GATCAGACCGACCGGCCCTGCCGCTCGGTCCCGCGCCCTCCAGACCTACGGTCTCCGT
TTCTAGGGGCACATGGTTAGCGGCAGGCGCCACAGCCAATCCACTTTGCCAGCCTGCC
CTTCTCTGCGCAAGAGCAGCTTCTTACGCCGCGCTCCAGTTCGCGAGACGCTGCCCCAC
CCTGCTCTTCCCTTCCAGGGAAGACGGATCACGCGGCCAAGAACGAGACTCGCAAAGTGG
GCATTTCTCCGAGCCGGGCTAGAGCAAGTAGCGAGACTCCGCGTGAGAGTGGAAGAGC
CTTAACAGGCAACCATGTTGCCAGTGGGTTTTCTGTGCCTTTGGGTGCGGACCAATGAG
GCGCGTGGGGCGGGACTTCCGCTTGCCTAGGTGTTGTCGTCCCTGCTAGTACTCGGGC
TGTGGGGTTCGGTGCAGTATTCAGTCATGAAATCAGGGTAGGGACTTCTCCCGCAGCGA
CGCGGCTGGCAAGACTGTTTGTGTTGCGGGGGCGGACTTCAAGGTAAGACCCTGTCCGG
>EP73896 (+) Hs C3F; range -499 to 100.

CGCGCGAAAGCGGCGCGGGCGTTCCCGCTCCCCGTTACATGCCCCAGTAACCCACGCG
CCGGCGACCGGGAGTAACCTCGCGCGCGGGCGGCCCGCGCTCCAGACTCTCGCCTGC
TCCCGCTCAGCCAATGGGAAGGCAGCGAACCCGGCCGGCCGGACGGTCGCCCCGAGGGC
TCTCTCTGGGAGCATTTGAAACGGAGTTGAACTGTGCGCGGGCCACGGGCTCAGACCTTT
CCAATGGCAGCTCTGGGTCCCGACGCAAGCCCCGCCAGCCCTGAGCCTCCCCGTGTGC
ATTCTCGGCAGGAGTACCTTTGCCTTACAAACCTTCAGACCCGCCCTTCTCCTACCTTG
CCGCGCTAGGCCCCGCCCTCTGCGCAGGTGCGCAATAACGGGGTGAGCTGGCGCCGCGG
GGCGGGCTCCAGCCAATGCGCACGCCGTGGGCGGGCCCGAGCCGGAATTGGGGTGAA
GCGATAGCGTTTTGCCCGCATTCGGGGCGCGCGAGCTGGGGGGTCCCTGTGGGGTCCC
GGAGTTAAGATGGCGTCTCAGCGGAGGGGACGAGGGGACTGTGGTGGCGCTGGCGGGG
>EP73897 (+) Hs DDX39; range -499 to 100.

AAACTATCGTGGAGCGATAGAAATCCAAATACTGCAAAATGTTCTGTCCATTTGAGTCAT
TCCAAGCTCCCTATTCTTTTCAGAGCCTACACTGTGGAGGACCCCCAGGCCGAGATTGA
TAGCAACTGGGACAGTTCTGGTTTCAGCGCCAGCGCAGACGCCACTTTCGAAAAGGTG
GGGCACACGCCAAAACGCAATCATCCGGTCTTCAGTTATCAGTACTAAACATGGCGGCTC
CCACCGAGCACACACCCAGATCACGAGACCGCGCGCTGTCGGAGCCAGTCTGTCGGCTC
ACTGGGGCGCGCTACTTTTAGATTGACCAATAAACGCGAGGCGTAAGGCACGCCCTCTT
TCTTCCCGTCTCCGCCAATAATCTCCCGGTCCCTTCCACAGGACCCAATCACCGCTTCGG
CCTCTCTTGAATGAAAAGGCAGCGGCCAGTCAGCAGAGCAGCAGCCCGACGCAAGAGGC
AGGAAGCGCAGCAACTCGTGTCTGAGCGCCCGGCGGAAAACCGAAGTTGGAAGTGTCTCT
TAGCAGCGCGCGGAGAAGAACGGGGAGCCAGGTGAGCAGCGGATCCCGGGCGCGGGGCCG
>EP73898 (+) Hs CSTF1; range -499 to 100.

CGGCTCCCACCTGCGACCCAAGGACCCAAGTCTTCCAAGAGCTCAGCCGTTAGAATTCAA
AGGTTCTTCTTTTAAATAGGAGTTAAACCCTCTAGCTAGAAAGCCGATTGGCTGCGCT
CGAGCGAGGCTGCCTTGTGATTGGTTGACAACAAACCCGACGCTTGAGTCGCGTTTAAAG
GGCGCAGACCGCGCGCAGGCGCACTTGCTCCCTAAGAACCAGGAAGTGGTGAGGCCAACG
GCCAGCCAGACCTGTGGCAGTCCCAGCCCCAGGGTGCTCTCCGCGGTGCGCCATTTATCG
GTGAAGCAACAGCCCCCTTGACGTCAAGCTTGACGCATTGGAGATAAAGTCCAAGGAGGTG
AACTAACCTTTGAACGTGCCAGTAAGTAAGATGGCGAGAAAAGCAAGAGAGAGTGGGACC
GATCGATAGCGCAGCGGTGCGCTTGGCGCCCTTTCAGCGTGCGCAGTGAACGTGCGCTCG
GAGCGGTAGATTGGGACAGGATTCGCGCCTCCATTTTTCCAGGAGAGAGCGGGATACCAAG
AGAACCGGACAGCTGGTACTGGGACACGGGGAGAGTAGCTGGTGCGGTGGCTGGGGCA
>EP73899 (+) Hs HSBP1; range -499 to 100.

TGGGCTAAACTCCAGACGCTGGCCACCTTCATAGGGTGGAGATGACAGAACAGGACAGGA
GCCATGGGGCTCCCGGGGCGGGTAGGGGTGGGTGATGTTCTTGGCTTGGGGGAGTTAC
AAGGGTACAGTGGGGCTTGTGAAGGGCAAAAGTTCTGTAAGTTTCGTCCCGACAGGCCAA
AGAAACCCAGAGCCGTCTTTCGACTGACTACAGCCTGGAAGAGAGGCCAAGACCACTCC
CTGCCTCTATTGCTCCATTTCTGAGTTGGTCTCACTTCCACCCCACTGACGGCGCGCTG
CGTGAGGGGCGGGGCATAGAGGGAGGGGAGGGGCTATGCGAAAGAAGGCGGGGAGAGTGG
GGTGGGGCCGCTCCTTGGAACGGAAGCGCGCGCCTCGAGGCCCTTCCGGTGCGGGAGAA
ACTACTACTCCATAATGCCCCGCGGTCCCGCGAGCTGCCAGTCTCGTCGCGAGAAGCAG

CGGCCCGGGGCGACTGAGCGGACAAACGGAAGTGTAGGTTACGGTCTGAGACATCACCGC
CAAGCTGGGCATCGGGGAGATGGCCGAGACTGACCCCAAGACCGTGCAGGACCTCACCTC
>EP73900 (+) Hs MAP1LC3B; range -499 to 100.

GGCCTGCCCTGCGCGCTCAGCCCCGGGTGCCGGCTCTCGGGCAGCACCACCAAGTCTC
TCTGGAGGGGAAAGGATGGTCGGATTTGCCCCATGTCCCTTCTCTGACCCCTCCCTCAA
GAGTGCCCCGGGACACCCCGCTGTGGCTCAGCCTCCCCGCCCCGCGTGCATCTCCT
CAGGGCCGGGACGAGGCTCCCGAGCGCCACAGACCCGGGGTGGGGCCAGCCACAAC
CGTCACCTCAGGGGCTCAGGCGCCAGCGGTGCTGGGCGGGGCTGGGGCAGACCGGGA
GCATGCGCAGAGCGCGTTTTCGCCATCGCGCACGCGCACACACCTGCTCCGCCCCAC
GCTGCGTGCCGTGCTGGGTTCCGCCACGCCCGTCATGGCGGCGGCCCGGCCGGCTCTG
GCCCCGCCCTCGGTGACGCGTCGCGAGTCACCTGACCAGGCTGCGGGCTGAGGAGATAC
AAGGGAAGTGGCTATCGCCAGAGTCGGATTCGCCGCCGAGCAGCCGCCGCCCGGGAG
CCGCCGGGACCTCGCGTCTCGCCGCCGCCGCCGAGATCCCTGCACCATGCCGTGCG
>EP73901 (+) Hs PPP1R12A; range -499 to 100.

GTTTCATCTGAGTTCTTAGAAAAGATCAACCAGCAGCACCTACTTCACGACCTATCTCCA
TTCCATTCAAATAACGCGGCCAATAGGAAAATCCTCCGCCCTGAGCCAACGACTCGGCGT
AGCTGAGACAGCAGGGAGGCAGATCTGCCCTGTAGAGCCTTGCGGTTCCACTGCTGGCC
TCCGGATTCCCGGGAGCCCCGAGCCCGACAGGACAACCTTCCTTCCCGCTTCTCTCTT
CCAGGTCTGTCCAGCCCCGCTGCTGGGCCACACCGCTTCCCTCTGGTGGCCAGCC
ACCACCGCCGAGTTTCGCGGGAGCGCTCTTCTGGGGCGGGCAGGGCCAGGGCGCATG
CGCACTGGTCGAAGGGCGCTCCAGTCCGGATCTCGCGAAGTTACGTTAGATTGGCCGC
CGGTGACGGGTGGCGTGCTGGGGCGGGAGGGCTTCTGTGGTAGGAAGGGAGGTCCGCT
CGGCCGGGTGCGCCGCCAGTGCTCTGTGGGATACTGGAAGTCTCGAGCGTCGGCTCCG
GGTTCACAGCCCTCTCTGGCCGCACTCATAGAAACATTACACACCCCTGCCTCCCC
>EP73902 (+) Hs RPL10A; range -499 to 100.

CCCTCTGCAGGCGTTGAAAGGACAGGAACAGAACCTTCCGGACACTTCCCTTACCACGAG
TCCACGTTAGAGCAAGGTGCTGAGGGAGGGAGGTGCGGGCAGGCTTCCCTTTGAGAACAT
AAGCTGGTGCAGGAGGGCGGAGGGGAGAGGGGTTGAGGGACAAGCGTGCCGGAATCCAC
GCTGTCAAGTGAACATCACTGGGCTGTACCACTACGTGTGACTACCGAAGCTCGAGCCCCG
AACCCAGCCGCTTCCCTAGGGGTCCAGCAGCAGCGGGCGGAATCGGCACATTACCGGGG
GACCGCGGGGCGCTCAGGACTGCGACAACCTCTGTGGTTACCGCGCCGGCCTAGCGGCC
AGCGACGCCCCCAGCGGCCAGAGAAGGCCGCGCTTCTCGGGTTGGCCACCCAACCGC
TCTGCGGGTAGGACCGGCAAGCAAAAGCATTATCGCGAGATCAGGGCCACTATTGAGCGC
ATGCGCAAGACATGCTAGTCTCTTTTCCGGTTAGCGCGGCGTGAGAAGCCATGAGGTGAG
TTGGTCTGAAAGCCCTATCCGCGTTCATCCGCGCTTCAGGTGCCCCGCCGAGGGTTGCG
>EP73903 (+) Hs RPL12; range -499 to 100.

ATAAAGTCACGCAGACCGGGATGACGAAGTCTGAGGCTCTAGGAATCGCGGACTCTCCGA
ATGAAGAGCGGGACTGGATTTCCACATAGACTGTTTTGATAACTAAAGTGACACAACAA
GTGCTCGAGGGAGCAGGGGTGCGCGGGTACTGGGTCTCGGAATGGGACTACGGACCCC
TCAGGGGAGGGGCGGGGCTCTGGGATTGGGTGACGGGGACCGGGTGACACTCACGATAA
AGGAATATGGGAAACAGCTAGGGCTGGGATCACCGGAGCCACCTTCTCAGACTTCTCCG
GAGCGAATACCCGAACCCCTTTTCGGAATCTCTAGCTTCAGCGCACCCGCGGTGCCCTGC
TTGCCAGCCGTGAGCTCAGCGCCTGCCACAACAACATGGCGACAAGGGCGTCTCTG
GAAGGCCGGGCAAGTGACGACAGTTCTCGCGATAGCCGCTTTTCTGCTATATCTGGCT
TGTCGCGCGATTTCCGGCTCTCGGCTTTGCGCTCGGAGGAGGCCAAGGTGCAACTTCC
TTCGGTCTGCCGAATCCGGGTTTCATCCGACACAGCCGCTCCACCATGCCGCCGAAGT
>EP73904 (+) Hs RPL18; range -499 to 100.

CCCAAGCAGCGGCTGCGCTACGAAGTGACGCGGAGATCAGGGAGCGGTGAACCTGATA
AGGAAACGCCGAAGCGTGGGGTGGGAAATTTCCAGATGCCCGACTAGCCCTGCCAGCC
CCGCTCTCTACCTCAACACTGGGCCCGCGGGTCTCCGGGAGCCACTGAGAGGCCGT
CGGCGTCGGGCCAGAGCGTACCGCGCGACGCATCGTGCTAGCTACACGCATCTCGCTCC
CAGATCCCTTTCTTCGAAAGCTATCGAGAACACGGCCTGGGTAGGGCCAGAGAGGCC
CCGACGTGCTGGCCCTTCCCTCTGGACGTTGCGCTTGTCTGCGCTCTATGCTCTCTG
CCGTTATCGCCGGCTAGTCAGTCGTCCAACCTACCACAGAGAAGTCCGGATCGTGGTAG
AGCGCCGCGTCGACCCATGTGACGTACGGCGGCGCCACTCGCTTGAAGCTTTCCCCGC
CCACCCAGCCGTTCTCTCTTTCCGGACCTGGCCGAGCAGGAGGCGCCATCATGGTGAG
CTCGCTTTGCGGCGTTCCGGGCTGGATAATCCGCTGCCATCCGCGTGGTTTTGGGCTAG
>EP73905 (+) Hs RPL18A; range -499 to 100.

CGTGCTGCAACATCGCTAGGAGAAAAATATATTATTTGTATTCCATTTTACAGATACCC
TCAGGTATCTGGTGGAGACCTCCGTAACACACCTCCCCGGAGGATGAGGCCCCGAGTGTG
AAGCATCGGGATCTCAGGTAAACACCGCAGCCACCCGAGGTAGCTTAGGTTCAATGCTT
AGGCATCCTGCAGGCGGCGCGCGCCGCCCTAGTTGCAGCCGGGACTGGCGGAGTGC
CTACAACCTCCGACGTGCCGCGCGCGCAGACGCTCCGTTGCGGTGCTGGTGGAACAGGTG
GAGCTTGCTCGTTGCCTTCTGGGAAACGAAGTCTCGCTGAAGAGAGGCGGAACCTTGAG
TAGCAGGTGGATCCATAGCCAATGAAGACGCGGGTCGCTTTGAGTGCGGGGCAGAGAAGC

CAATGGACGTGCGGCATTGAGAGGGCGGGTCTTCGGTAGTGAAGGCCTGGTGAACGGCT
GCGCGACAGAGGACACTTCTTTTTCGGGGTGGCGGCGAAGCGGAGAGCACGCCATGAAG
GCCTCGGGCACGGTAAGGCGGGCGCGGCGGCGAGGGGGCCAAGGGATGGGGCACGGGCC
>EP73906 (+) Hs PGLS; range -499 to 100.
CGCCCCCACTACGCCGGTTAATTTTTTGTGTTTTCAGTAGAGACGGGGTTTCACCGTG
TTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCGTGATCCGCGCCTCGGCCTCCCAAAGT
GTTGGGATTACAGGCGTCAGCACCGCGCCGCGGGTGCAGGAATTTTAAACTACCAA
AATACGCCCTCTTCAGAAAATCCCTGCCACCTCGATAGGACGTCCTCTTCTTGAGCTCC
CCTCTCCGGCCCTCCCTGATACAGCAAGGTTGAGCATTCGGGCACTGGCTTCCCGAACTC
ACTTCGACTCAGGCACAGCAGGCAAGATTCAATGGGTAGGGCCGGACCGACTGCCCGAC
CTTCGCGGTGCTTCACTTGCCCTACTGCGCATGTGCCAAAGACAATCACCCAAAGTACTC
GAAACCAAGCGGCGAGGGCCGGCCCTTGCAGGCGTACTAGCGACGGCCGTAGGGAGCGC
TTCCTCTCCCCGCGCGCCCTCGCATGGCCGCGCGGCCCGGGCCCTCATCTCGGTG
TTCTCGAGTTCCAGGAGCTGGGTGCGGCGCTAGCGCAGCTGGTGGCCAGCGCGCAGCA
>EP73907 (+) Hs RBM8A; range -499 to 100.
CCTGAAGAGAAATTTGGTGTGCTGCAGGTTCCAGAAGCAGCTCTTTATGCCCTCACTGCTGA
TCAAACATTTTTTAAAGACGCTCCTATCATACACCACGCTGCCTAAAGACAAGGTACAG
GCCTGGGATTTTTGAAAGAAAAGGGTTTCTTCAATTACCATTTCCAGTTTGGGATGAAG
AGACGTAAAGAAGCCCTCTAATAAGGAAATTACGCCGGGCTCACTGTTAATAGTACAGT
ATTTATCAGCAGCTGCCGCGTTAAGAGGAAGCCACGGCCCCCTGTAGTCTGTACCTCCT
AAGATGGATGATTTAGCTTGCATCTGTTCAAGATGGCCACAGAAACACTTCCGGTATCT
TTCCGCACTAGGCCCGCCCAATTTGCGTGTTTTTACCGTGCGAGGGAGGGATTTAGAG
TTAGCCTTTGATTGGTCAGCTTGAAGTGGCGACCTTTCCCTCTGCGACAGTTTCCGAGG
TACCTAGTGTCTGAGCGGCACAGACGAGATCTCGATCGAAGGCGAGATGGCGGACGTGCT
AGATCTTCACGAGGCTGGGGGCGAAGATTTGCCATGGATGAGGATGGGGACGGTGAGGA
>EP73908 (+) Hs GTF2H4; range -499 to 100.
TCTTCCAGTCTATAAGGTGGGAATAACAAAATTTGCATATAGGAATTTGGGGAAACGTGT
AGTTCTGGGTTTGGGTGAAGACCTCCACTTTTGTAGTAGGTTTATAAATCAAATCAGAGC
AAATAGTTGGTGTCTTAAAACTGTATTTATCTGGGTCTTCTAAGTAACGGTTTGAGGA
GTGGTGGAGGCGAAATTAAGATTTACTGAGTACTTAGGGTCAAGTAAGGTGCACTGGAT
CGTGTTAATCGTTAACTCGTGAAACCGCCAGAGTGTGTACGCTTTCTTTCTTTCTTT
CCTTTTCTTTTTTTTGTAGACGGAGTTTCACTCTTGTGCGCCAGGCTGGCGTGTAATGGC
ATGGTCTGGCTCACTGCAACTCCGCTCCAGGGTTCAAGCGATTACCTGCCTCAGCCT
CCAGAGTAGCTGGGATTACAGGTGCGCCACACCGCCGCTAATTTTTGTATTTTGTAG
TAAAGACGGGGTTTACCATGTTGGCCAGGATGGTCTCGAACTCCTGACCTCGGGTGAT
TCGCCGCTCGGCCTCCCAAAGTGCTAGGATTACAGGCGTGAGTACCGCGCCCGGCCCTG
>EP73909 (+) Hs TACC3; range -499 to 100.
GGCACTCTAGGACATGGAGTCCCGCGCCCGGCGCCCGGGGCACTCTAGGGCATGGA
GTCCCGCGCTCGGCCGCTCGCGGGCGCTCTGGGAGATGCAGTCCCGTGCGGGTGCGG
CCTCTCTTCTCGGCCGGCCCTGGAGGCGGCACCGCACCTGTGCATTGAGCACAGGTGGGG
AAACTTAGGCCTGAGCGAGGCCTGGCCATGAAGCCCCCGCCAGTAGCGTCAGTTGCGGA
ACTCGAAATTCATGGGGCGACTGCGAGCCCGGGGTCTCAGCTTCAGACACCCTGGCGTGC
CCTCCACTCCGGAACGGAACCGTCGGCGCCCGAGCGGGGGTGGGGGGGAGGGAGGGC
GGAGCGGCGAGGCACAGCTTCCCATTTGACGCCCCGCCCTCCTGCGGTCTGCCCGCGCC
GCGCGCTGATTGGCCGCGCGAAGGCAACCGTCGGCGTTTGAAACTCCGGCGCGCCGGCGG
CCATCAAGGGCTAGAAGCGCGGCGGGCGGTAGCAGCCAGGCTTGGCCCCGGCGTGGAGCA
GACGCGGACCCCTCTTCTGGCGGCGGCGGCGGGCTCAGAGCCCGGCAACGGGCGGG
>EP73910 (+) Hs CLTA; range -499 to 100.
TCTTCTTTTTTTTAGGATTCAATCTTCTAATAATCCCGGGAGGGGGCGCAAGAGCAGGA
TTCTTGTCTTCTATTTTACGAATGAGGAACTGAGGTTTCAAGAAAGCCTAAGTGGCATGCCT
CTTCAGTAATCGGCCAATCGTCGCTGCCCTAACTTCACTCACCTCCAGTGAGCACTA
GAGTCCCCTCAGGGGTGGCGTCCCTGGTCAGTCCAGCTCCAGCAGACGGGGTGGGTAGG
ACGCTCCCTATCAGGCAGCACTTCCGCTCCCGGGGCGCGCAGCTCACCTCCCTCACC
TCCCGCCCTACCCAGTCACGAGTTGTTTTAGGGGGACCGCCCTCCACTTGCTGATTGG
GTAGCTCCTGAACATTGTTGCTCTGATTGGTTGTTCCCTTTTCGGCTCTGCAACACC
GCCTAGACCGACCGGATACACGGGTAGGGCTTCCGCTTTACCGTCTCCCTCTGGCGCT
TGCTCTCTCTCCAGTCGGCACACAGCGGTGGCTGCCGGGCGTGGTGTGGTGGGTGCG
GTTGGTTTTGTCTACCGTTGGTGTCCGTGCCGTTCAAGTTGCCCGCATGGCTGAGCTG
>EP73911 (+) Hs ENC1; range -499 to 100.
GCCCAGGGCCTGCTCTGCGGATACCCAGCTCGCCCTTGCGACCCCTTTTAGAGCATCTC
GCGGGCTCTGGCATACCAAGCGCACAGCCCCGGGTGCGCTCCCCTAAGGTGGGTCCCT
CAGATCCGGGCTGTCCATTAACCAGGCTGGCCCAAAGAGGCGCAGACACTCGAACCCGG
GAAAACCTTATTTATTCTCGGTTCCCGGGTTGACAGTGCCAGCGGCTGAGACAGTGCGT
CCGCTTTGTCTCTGCACTCCCCGAGCCCCCTCTCCCGCTTCTCTCCCGATTAACT
CCCCGACACGCTCTTCTAGCTCTCTCTCTCTCCCTCCCACTCCTTCTCTCTCTCTCTCT

CTCCTACACCACAGGCCGCGCTAATGCGCTTCTCCCTCCCCCGGTGTCGGTCTCTTTGC
ATACGCGCCCCCTCCCCTCCCGCGCGCCACTTATAGCGGGGCGACGCGCGGGGCG
CAGACTGCTCTGGCAGCCGGAGAGGAGGCGGTGCGGCGGTGGCGCTGCGGAGACCCGGTC
CAGACGCTGGCGGCCCGGCACACAAGGCGCTTTCTAGCTCCCTCCCCGAGCGCACA
>EP73912 (+) Hs CSRP2; range -499 to 100.

AAGGCAAGGGGAGGTGGCGAAAGCCCCGTTTGGCTGACTTTCTACTGCTGGAGCCTCC
CGGCCCATGACTGTCTCCGCAAGAGGGGGATCGGCGCTCGCGGTGGACAGGTCCGACGC
AGGGCGGCGGGGGCCACTTTCCAGCGGGACCGTCCCGCCCGGGGCTCCCTGGAGGGGA
AGGAAGTCCCTCTCAAGTCCAGTGGCTTTTGGAACTGCCGGGTCCCTTTGGGAGGGAG
CGGTCCCGGGAGCTGGGAAGATGCCGGGCGGGCGGAAGCTGCAGGAAGAGGCGGGCCTC
CTGCCTTTTGTCTCCTGGTGGCTAGCCCGAGCGGGCAGAGGGCAGCCCGCCCGCTACAC
GCCCCAGCCCGCAAGCGGCTCCGGGAATCCGGCGGGCGGGGCTGGGAGGAGGGCGGGGC
GGACACAGGCCGCGCCACCGAGCGCTCTTTAAAAGGCACCGGCGCGCTTCGCTGGG
ATCTCGGACTCCCTGGACCTCCCTCCAGCCAGCCTCGTAGCTCCGCTGCGGTACGT
GCTCCCGCTCCGACTCAAGTGAGTAGGGGCGGTGGGGCGGTTCCGCGGCGCCGCCAACC
>EP73913 (+) Hs DFFA; range -499 to 100.

CATGCTGGCCAGGCTGGTCTCAAACACTACTGACCTCAGATCATCTGTCCGCTCGGCCTCC
TAAAGTGCTGAGATTACAGGGGTGAGCCACCGCCCCGGGGCCCTTGCCACGTTTTTAT
AAACAAAATATGAGGTGGGAGGATTGCTTGAGCCAGGAGATCAAACTGCAGTGAGCCA
TCATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGAGACAGAGCGAAACGCTGTCTCAAAAAAGAA
AAAAGAAACAAGGAAGGAAAGTGTCCCCGAATGAATAAATATGAGCAGATAATTACTTC
TAGTTTACATAAAATGCCCTCTTTTAAGAGAGGAACTTTTTGATCATTTTTATTACTATT
CTTTTAATCTTAGATGTTTATTTTTAGGAGGAAAAAACAACCTTTTCCATAGTAGCAG
TATTAACAAGATGAATATGTTGTCAAGAGGCATCTGAACAATCTCAACAGTGCCGA
GTCGATTTCCCTTTCTCTCCGATGCATTTGAGACTTTAATGCTTACTATATTTATTT
AAGCGTTTTGTTCTGAGACCCAACTAATTTGCACAGTTGAAGCAGGAAATAGAATGGG
>EP73914 (+) Hs SNRPC; range -499 to 100.

TATGTTGCCAGGGCTGGTGTCCAACCTCCTGGGCTCACGTGATCCTCCCGTCTCAGCGTC
GGGAGTACCTGACATTCAGGCGCGAGCCACGGCGCGGCTCCTGTTGGTTTTAGTATCT
GTCTTGTTCCTAGAACTCAACCCCAACAAGGACAAGAATTTTTATCTGTTTTGTTTAC
TGCTGTTTTTTCAGCATTTATAGCAGCTCCAGGCGGTAGCAGAGAATCATTAATATTT
ATAGAAAGATTAAATACGCTCTTCCGGAAGCACCGACAAACAAGATTAAATGAGCTTGA
TTGAACCTCGTAGCGGCCGCTGACTCTCCTTCCCGCATCTATAGATGAAAGGAAG
AAAAGGAAAAGCCCCGCCCTCGCTCGGCTGCTGGAGCGAGGGCTTCGGAAGTCTTCAT
GCTAGTCTCGTGGGGTTCCGCGGTGTCGTGCTGGCTGTGCGCGTCATTTCCGGGCGTCA
CGTAACGAGTGGCCAACGGCCTGCAGAGCAACATGCCCAAGTGAGTGGGGCCCCGAAAT
CTGAGGGTGATCGTAGTCACTAGTTGTGGCCCCATGCAGGAGCGGAGAGCGGGTTCTGG
>EP73915 (+) Hs VCP P1; range -499 to 100.

GTTGAGAAGGAGCAAGAAGTGTCAGGGTGGTGATGGCGTCTTAGAAGATCTCCAGGTTTT
GGGAGAAGATGGGTGTATGGGTACCACAATAGGACTAGACTAATACAAGGGTTCAGTCT
ATTGTGCCACGTTCTTCCAGGAGGATAAACTCCGGAGCCAATGAAGTGGAGCCAAGTGGG
AGAGTCCGCCTCTAAGGGATTAAAGGGTCTCCTTTCACTAATCGATCTCGCCCTATTCTT
TTCGTTGATTGGCTGAGAATTCGAATCCGTCGAGGAAGCGTAGCGTTGCGGCCAATTGAC
GTGGCGTTACTAGGCGTGTGCGATCACTGAGGCGGGAGCCAGGCCGCAAGCGAATTTCTT
GATTGGCTGTGATCTGCGGGTTGCTGGGGAGAGGCGCGGAGAGGCGGGCGAGAGTCCGCA
GGGCAGGCGCTGATTGGCTGAGGTGGGAGCAGCTTCCCTTCCGATGATTGGCTCTTCTC
GGCTCAGTCTCAGCGAAGCGTCTGCGACCGTCGTTTGAGTCGTGCTGCCGCTGCCGCTG
CCACTGCCACTGCCACCTCGCGGATCAGGAGCCAGCGTTGTTGCCCCAGCGCTCGCTGC
>EP73916 (+) Hs VCP P2+; range -499 to 100.

GGGTGTATGGGTACCACAATAGGACTAGACTAATACAAGGGTTCACTCTATTGTGCCAC
GTTCTTCCAGGAGGATAAACTCCGGAGCCAATGAAGTGGAGCCAAGTGGGAGAGTCCGCC
TCTAAGGGATTAAAGGGTCTCCTTTCACTAATCGATCTCGCCCTATTCTTTCTGTTGATT
GGCTGAGAATTCGAATCCGTCGAGGAAGCGTAGCGTTGCGGCCAATTGACGTGGCGTTAC
TAGGCGTGTGCGATCACTGAGGCGGGAGCCAGGCCGCAAGCGAATTTCTGATTGGCTGT
GATCTGCGGGTTGCTGGGGAGAGGCGCGGAGAGGCGGGCGAGAGTCCGAGGGCAGGCGC
TGATTGGCTGAGGTGGGAGCAGCTTCCCTTCCGATGATTGGCTCTTCTCGGCTCAGTCT
CAGCGAAGCGTCTGCGACCGTCGTTTGAAGTCGTGCTGCCGCTGCCGCTGCCACTGCCAC
TGCCACCTCGCGGATCAGGAGCCAGCGTTGTTGCCCCAGCGCTCGCTGCCGGTGGGAGG
AAGCGAGAGGGAAGCCGCTTGCGGGTTTGTGCGCGCTGCTCGCCACCGCCTGGAAGAGC
>EP73917 (+) Hs CLPTM1; range -499 to 100.

AGGAGACTTGAACGAAAGAGTTGTCTTAGGAAGAGGGGTGAGAACAAAGGTGCTGGGC
AAAAGGCTAGTTCTTCAATCAGAAACGGTGGCCAGAAAGGTTCTCTGACGAAAGAGG
GGCGTGGTTCGAAGCCGTACAGTGGCCGGTAAAGCTCAAGAAACATGGAACGAAAAGGAC
GCGAAGAATCGGCAGGGAGAAGCGGACAGGATGTCCGAAAGGCTCATATAACCGAAAAG
GCGGGTTAATGTGAAGGGACGGAAGGGACAGAAGTTGCGGGAGGCACATGCTGGCCGAGA

AAGTCCTGGAGTTCGGAGCATACAGTGTTTTTATTAGGTGGAAACAAACGGGCTGGGAGA
AAGACGAGTACGGTGGCCAGGTTGGTCTTCCATAGCCGGAAGTGGCCTTCTGAGAGGC
GTGGCTGCGGCACTCTTGCCGGATAGGGTGGCCCGGCGGGGCTAGGAAAGCGTGAAATCT
CGCGCGATTGCGCTGCGAAGTCGGGGACGGGGCGGGGCTGGCGGGGGGGCGGGACCCG
GAGCGGAAGATGGCGGGCGCAGGAGGCGGACGGGGCCCGCAGCGCCGTGGTGGCGGC
>EP73918 (+) Hs ATP6V0D1; range -499 to 100.

TTCTTTTTGGTTAGCTTTAGTAAGCTCGCCTTAGTTGGCCTCCGGTTCCTGCCCCAG
ACCTTGGTGTTCCTTTGATTAGCTTACAGATTACAGACGTATTGGCCTCAAGTTCCC
CGCTCCAGACCCTATTCTCTACCTCAATCGGACCTCAGTTTCCCTCTGGGGAGGAGGC
TGCCCCAGCAGTCTGGAACCTTTCCAAGCTTGAGAAGGGCTCGCTCCCTTCTTTACCCCG
CCCGCCCTGCAGCGTCAAGTGCAGCAAACCGGGGAAAGCTAGAGAAGGCCAGTCAAATC
CCTGCGGCCACAGGCGCCACCAAGCGGCCGGCCTCAAACCTTCTTTTAGCGCGCAGG
CGCCGAGGGCCAGCCACGCTGCACCGCGCTTCGCGCAGCCACCCGGAAGCCGGGCA
CCGCTCAGAGCCACGCCCCCTTATGGTCACGTGAGGCGCTTGCGCGTCACCTGACGCACT
TGACAGCCCCTGAGGACGCGAGCTGAGCTGACCTGGGGAGTCGCGATTCTGTGCCGGCCG
GTCCTGGTTCTCCGGTCCCGCGCTCCCGCAGCAGCCATGTCGTTCTTCCCGAGCTTTA
>EP73919 (+) Hs BYSL; range -499 to 100.

AAGGTGGCAGAATCACACAGTAGAAACGCAAGGTTCCCTGTCCGCCACAGAACTCCTT
CAGTTCCCCAACACAACCTTCTGTCTCAGAAGGGACTCCGGAATACGTAAAAACAGAGC
GCCGGGTCCACGCTTCCCCAAGGAATGGGGCGTGTCTCGGCACCCCTCGGTGACGCCTC
CACTGACATCATCTGCGGATTCCCGCCCCGAGGTTTCTAAATCCAGACATTCCCGTTTGG
CTGAGCACTCTAGGCTACATCCATGAAGCTAGGAGAGCGACACTCAAAGACTGCACTAT
TGAGAGAAGCTAACGTTAAAGGCAGTGAATATATTGGGAGTCCAGCTCCGGAACCCGGG
AGCTCTTTTAGTGGGAGGGGCGCGCTGATGGCGCTTCTGGCCTCCGAATGCTAGGGGGC
GCTGTGATCGCCGGGCGGCCCTTTGGGCGCTGGGAGTCCACCGCGCAAGCGCATCCTGGC
CTTTCTTCAGTCCCCACGTGCGATCCTTCCCGCAACTTTTTCGAGAAAAATGCCAAAT
TCAAGGCGGCCCGTGGGGTGGGGGTCAGGAAAAACATGCGCCCCTGGCCGATCAGATCC
>EP73920 (+) Hs MRPS22; range -499 to 100.

TTGCTCAGGCTGGAGTGCAATGGCACGATCTTGGCTCAATGCAACCTTTGCCTCCTCGGT
TCAAGCGATTCTCTGGTACAGGCGCCGCCACCATGCTTGGCTAATTTTTATATTTTA
GTAGAGACGGGGGTTTACCATGTTGGCCAGGCTAATCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGA
TCCGCCCGCTTGGCCTCCAGACTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACGGCGCCTGGCC
GGAAATTTGTTATTTAGAACGATGGAACGGGTAGGAAAAAGAGCATATAGGGAAAAAGG
TGTAAGTTTTAACTTTATGCATAGGGAAGGACATAAACACCGTCTACTTGTGAATAAGTA
GTTTAGAAGAAACAATCTATAAGGGCCCGAAGACTTCCGGCCCTTTCCGCCTTTAACTA
GACTACATTTCCAGAGTGCTGCAAGAACTGGGTGTGACTCGGAATCCCTCCCAACCACT
TCCGGCGCAAGTGGCTTCTGATAATCATGGCGCCCTCGGAACAACGTGATTGCTGTGGA
GCCTCTTGAGGAGTTCTCCGGGCGTGGAACGGGTCTGTTTCCGGGCTCGAATCCAGCCCT
>EP73921 (+) Hs ATP5L; range -499 to 100.

CTCAAATAAAAAGGGCTATGGGTTGAGCCTGGTGACAGCCTGTGTGGTGATTGCTCGGCC
CCTAACTTTATATGTTTGGCCTTGGACCCTCTCTACCTCTGTACAACGATCGTGTGGAC
TAGAAGAATCTCAGCGAATCCTTCTCCAGTACTGACTTCAAAGGTTCTCAGAATCGCGGC
GAAAGCACCTACGCAAAATAGCGGAGGTGGCGCCAAGAAAAGCACTGCAGGTTACAGGG
CGCATGCGCATTTCCGCTCCTTGCCGGTTTTCCGGACCTCTACGAGTGGCTGCCCCACAA
AATGCCTGCTTCTGCGGAATCCTACTGTTCTTCACATGCTCTCTAATACCATCTTTTC
ATATCCACTTTCTTCCATGTTGAAAAATTAAATTGACAGGCTGGATTCTGCAAAGATC
TTTGGACATTTAAGTATCTTCGACCGGCGGAAAAGAGGCGGCCTGACCTTGAAGTGGG
ACGGGGTCTGACGCGGTCTTCCGGCGGGTGACATTACGCGGCGGTTGCGGGCGACG
GACTCTCCATTCCAGAACCATGGCCCAATTTGTCCGTAACCTTGTGGAGAAGACCCCGGC
>EP73922 (+) Hs COG4; range -499 to 100.

CTCGGGCCTAGACTGCCGTGACCCCGCCAAAGTCTCGGGTCCCCCTTCCATATGGCCG
GTCTCCGCTCCCCGGGCCGGGGAAGTCTCCAGGCTGTTTTTTTACCCTGCAGCGAGAA
GGATGGTGTGGATATCCAACGGATGCTACCTCCCTTCAAACTTAAGCCACCACCAACTC
CAACATACTGGCGTCCGCCATTAGACCTCAAGACAGGGACATTCTGGTGGCGCGCGGCGG
AAAAAGGCACCAATCCGCGCCTGAAGAATATATATAATTTTTAAAAAATGCTTCCGTCT
TGCTTCCACACGGCATTACAAATTATTTAAACATGCTTTATTGCTTTTGTCTTTTCCAGGA
GAATAGAAAAATTAATACGTTTTTAGAAGTAGACTTTAAAAAATAAACCATTAGAGTTC
ATTGGGCACTTCTGTGGGCGAGCCCCAAATAGGCGCCAACGAAGAGGGGGCCTCGCGGGAC
CGGAAGTGCCGAATGGGGACCAAGATGGCGGACCTTGATTGCGCTCCGAAGCTGTCAGGG
GTGCGAGCAGCCGTCTGAGGGGGTGGGAGGTGGCCGCTGCTCCGAAATCTCCGCTGAGCTC
>EP73923 (+) Hs SYNJ2BP; range -499 to 100.

AGATAACGTTTTATTTTCTTTGGATAAAGGCAATTAACCAACACAGGCGGCCACTCCA
ACGGTGAACACCAAAATGAATACCAAAACCATGTTAACTCGTCTTACATGAGAAGATG
CGTGTGCTTTGGCTACATAAAATGTGAGATTTTGTCTCTTTGCAATCTCATTAGTGG
ATTGCCTGTAAACCCCATTCGGTCTGGTTCGATGCTTACAGAATAATACACCTTTTTTT

TCTTTTCTACATTTGTGGAGATTTTCTAGGATGGCAGGAGATTTTTTAAAAATTTTTTTT
CTCGACAATATCAATTTATTTAGGTCCCTTACTTTTACTAGCCACCCCTTCCCACATTGC
TTCCAATGGCAAATTAGAATGGTAACCTTGCCCTTGCTCACCTCATGCTTGCTTTGGGA
ACCGGTGAGAACTGCAATCCATTGGCGGTAGGAACACGATTCCCAGCATTCCCAGTGC
TCCGAGTCCTTCGGGCTTCTTTTCCGGGTCTCGAGGCTGCTGAAACCGAAACGCTGTG
CTGTGGGCGCAGCGCCGAGATTGATTACCTTACCTGTGCTGCACTCCAGCTGACCCAA
>EP73924 (+) Hs HN1; range -499 to 100.

TGGGACACACAGTAGGTATTCAACAGATAAATGTCAACTTGTTCAGTACTTTTCATCCT
TTAAGGAGGATGCCCTTACTATCCCACCATCAGTAAAGCAAATGAGAGAACAGTAACAGT
GACAAATCTCCCTTCTGCTTGCCGAGGTTGTAACCTCCCAAGAAAGAGCTTCCCCCTCTG
TCAGGTAACGTTTTACAGTGACAGCCAGCACGACTTCCACCCAGCGCAGGTAAGATTGCG
CTTCCGTCGAATCATCGCCGAGATTTTGGGGTGGGGGAGGGGAGAGAGTCCCAAGGCCTT
CCCAGTCCAGGAAGGGGGCGGGCTTAGGCTGAGCCGTGGCCGCCACAGCCCATCGTAATG
CCGCATGGTGCTTGGCACTCCAGAGAGCCAATAGGAATGAAAGAATTCATTTGAATCGGC
CAATGCCGGCGGGTTAGGGGGCGGGGTTGAAAACCTATAAAGGCGTCGATCGGCCGGA
CAGGCGGCAGCGCGGCTCCTGCAGCGGTGGTGGCTGTTGGGTGTGGAGTTTCCAGCG
CCCCTCGGGTCCGACCTTTGAGCGTTCTGCTCCGGCGCCAGCCTACCTCGCTCCTCGGC
>EP73925 (+) Hs GADD45B; range -499 to 100.

TCGCAGCCAGGAGAGACTCCGGCCCTCACCAACCTGGGCGAGATCACGCTGCAAACGG
GGCCCTTCCGGGTGACGCCCTCACCCCCAGCAGAACTTGGGAAAGGCGCGGTCCGGG
ACTCTCCGCGGATCGGGAGGGGATTCCAGGCCCCCGAAAGTCCGGGCGCCTCGCGCG
CTGGAAATCCCGCGCGCGCCCGAACCGCGGCTCGGCTGCCGGGAAATCAGGAGAAAAA
ACTTCTGCTTTTTTTTCTTTTCTGGCATTGCGGGTACCTACCCGGCCCCCGCGGCCCT
CCTCCCGTTCTCGCCCCACGTGGGGCGCCCCGACGCCGCTCCTCCCCCTCCCCCTCC
GTCGGCCAACCGCAGAGCTAGCTGCACTCGCCCTTGTCTTCCACCAATAGGAGGGGCGA
ATGACTCCACTGAGGCCACGCCAATGTTCAAGTCTATAAAAGTCGGTGCCGGAGGCTCC
CAGCTCAGATCGCCGAAGCGTCGGACTACCGTTGGTTTCCGCAACTTCCTGGATTATCCT
CGCCAAGGACTTTGCAATATATTTTTCCGCCTTTTCTGGAAGGATTCGCTGCTTCCCGA
>EP73926 (+) Hs CLDN5; range -499 to 100.

GCTTGGACCCCGGGGCGGGCTTTCTGGAGAGCCCCCTACGAGGGCCTCTACGGCGGTGA
CGGGGTGGGGGCTTCTGCAAACCTTGGTCAGGGAAGTGGAGCTGGCTCGAGTGAAGAG
ACCACCCGGCTCAGTCGGGGATGTGGGAGTGGACTGGGTGGTGCAGACTGGGGGTGAGC
GCCTTCTGAAGTGACGGGGCGGGGACGCGCAGGGAGGCGGCCAAGAAGCGCGCCCTAGG
CCAGCCCAGAATGCGCTCGGCGCGGACTAGGACAACGCGGGGTGGGGTGGGGGCGGCTG
CCGGGCGGGGAGCGGTCCCGCGCCCTCAGCTACCCCTCAAGAGCGTTGTTTCCCTAACT
TCAGCTGCCAGAGGCTCTGTGATTGGCTGCGGCACGATGACCCGCGCACGGATTGGCTGC
TTCGGGCCGGGGGCGGGGCCGGGGACAGAATCCGCCCCGAACCTTCAAAGAGGGTA
CCCCCGGCAGGAGCTGGCAGACCCAGGAGGTGCGACAGACCCGCGGGGCAAACGGACTG
GGGCCAAGAGCCGGGAGCGCGGGCGCAAAGGCACAGGGCCCGCCAGGGCGCCGCGCAG
>EP73927 (+) Hs PTTG1IP; range -499 to 100.

CAGCGTGAGCAGCGCTTGGGACCGCGTCCGGGACGCCCCGAGCCCTTAGGATGGAGGC
CACCGTGACCTCCGCCACCGAAGCACCGCGCTCCCTAGTCCCCCTCAGCCGGTCGCCGTT
CCCCGCCGCGCAGGCGCAGGAGCCGCGGCGAGCCCTCGGTACGCCTCGCCCCCTCGGTC
ACGCCTCGCCCCCTCGGTACGCCTCGCCCCCTCGGTACGCCTCGCCCCCTCGGTACGCCT
CGCCCCCTCGGTACGCCTCGCCCATCCGCGCCGCGCAGGCGCACTGAGCCTCAGCCGCTC
TCCTCGCTACCAGGCTCCTTCTCTATCGCGCAGGCGCACTGAACCTCAGCCGCGCCGG
GAGGCGAGCCGTTGGCGAGGGGCGGGGACAGATGGCGAGGGAGCGGGGCGAGCTGCTTTT
TGAGGCTGCGCACTCGCATGGCCCCACCTCGCAGGTCCACTTCCGGCGCCGCGGCTGTT
CGGGCGGAGACCGCTTGTGCTGGAGTCGGAGTTGTAACGCTCCACTGACTGATAGAGCGA
CCGGCCGACCATGGCGCCCGGAGTGGCCCGCGGCCGACGCCGTACTGGAGGTTGCGCCT
>EP73928 (+) Hs RBM14; range -499 to 100.

CACAGTCTTGGGAGCCGTTTGCCGACTCAAGGCGCCTGTCTGTTTTCTCCCGCAGGCC
CGGCCTTCCCCGTACACTCACGCGCAACCCCCAGGCGCGGGTTTGGACAGGGCTTCCA
GAATGGGAGGAGCCCTGACTTCCAATTGTACAAAGTTTTCTGGGAGCCCGCGGTCCCA
GCCCCACCCGGGCCAGAGACCGCCTTACAGACTAGGCCTCTCTGCCGCGGCGCCGCTCG
CGCGGTTTCTCTCTTTCAGCCCTCCCTCTTCTTCCCAACCCCTCTCCCGCCACGGGC
TGTGGCGGTTGGTGTGCTCCCTTTCCACCCCTCAGCTAACGAGCGGGCTTAGGCCCTCT
GGGATTGGCTGTGCTGAGCATCTTCCCTCAGCGTTTCTGATTGGTGTGCTGGACGCGC
GGGATGCGAGTCCCCATTGGCTAGGCCAGGGCGCCTGCGCGGCGGGGTTCTCGGTGCCA
GCCATTCTGAGGAGGACTGCCGGTCTGTTGCGACGTCTTGCTGTGCTGGAGGAGAGGT
CCGGGCTCTCCAGGAAGGTGGCTGCGGCGACAAAATGAAGATATTCGTGGGCAACGTCTGA
>EP73929 (+) Hs MRPL42; range -499 to 100.

GTGGCTCATGCTGTAATTCCAGCACTTTGGGACGCCGAGGCAGGAGGATTGCTTGAGAC
AAGCCTGGGCAACATACCGAGACCTCGTCTCTACAAAAATATTAATAAATAGCTGGGTG
TGGTGGTGTGCGCTGTAGTACCAGCTACTCAGGAGGCTGAGGTGGGAGGCTCTCTTGGG

CCCAGGAGGTAGAGGCTGCAGTGAGCCGTGAGGGAGCCATTGCACTCCAGTCTGGGTGAC
AGAATGAGACTGCCTCACAAAAAAGCTTGTACTTTCTAAGGGTAT
GTGTTTGGGGCAGTGATTTTGTCTTCTGGGCACCTTAGTAACACTGCGGCCACGCTTCC
CCAATAAGGTAAAAGTCCATAGCAACAATCCTCCTTTCTCTGACCCGGGCCGCT
TTCCCGCGGAGACTACATTTCCAGAATGCCCCGCGGGCTGGGACGGCGCGCAGCGCT
GTTTCGTGGGACCAGGATTGAAACAAGATGGCGGGTTCGTGGTGAGAAGCCGTCAAGGTA
ACCGCTTCCCTCTACTCCTCTGTGAGGACTTCTCGAACTGGGCAGTCCCACAGTGT
>EP73930 (+) Hs IDH1; range -499 to 100.

GCGACCCCGCGCTGGCCGGGAGCACTCTTCTTCAGCCAAAGGTACGTTCCATTACCGCC
CCTCGGGGGCGCGCTAGGCAGCGGGCCGGCAAGCTGCCGCCGCCAGGGCGCCCTGTCC
CGTTCGCTTTTGTGCCGACCTGGAACACTCTGTGGTGCTCTAGATTGTTACAAAGTTCG
GGGTGGTGCAGCCCCAGCGCGCCCCGCTCCCCGGCCTGCAGGTGGCATACAAGTCTCTTC
GCTGTGCGGATTGCGGACTGAATCTCTGCCGGGCGGCAACCCCTTCCCCACCGGGATCA
CCGGGAAAGTGGCACCATTGGATTCTCCATCTTTGACTGTGGCCACGCCCTCTCGCTGAC
TCCGCCATCCACGGGAATTGGCGTGTGGCGATTGGAGCGTGTGCGGGGCGGGGCTGG
GGGAGTGGGCTGAGGAGCGGGGCTGGGAGGGGACAAAGCCGGGAAGAGGAAAAGCTC
GGACCTACCCTGTGGTCCCGGTTTCTGCAGAGTCTACTTCAGAAGCGGAGGCACTGGGA
GTCCGGTTTGGGATTGCCAGGCTGTGGTTGTGAGTCTGAGCTTGTGAGCGGCTGTGGCGC
>EP73931 (+) Hs RPS25; range -499 to 100.

CTTTGTTACACATACACACTAAAAATGCCATCGCTGCCTTGCCGCTCGGAACTGGT
ATTCAGCCTCTACCCGACGGCCCTCCCCGGAACCGCATCACAGCACTTGCCGCCGGCCC
CACCCAGCCT
CACTTGCGCACTGGGAGCGACACGCTCGGGCATAAGTAGTGCCGGAAGTTAGCTGCCGA
GACCTGGTGGATTGCTTTTCTTTATCAGTGCAGGAAAACAGCGCTATAGTATGCGTCAC
AACTAGCGCAGACTCCGGCAGTATTTAGGCGGTGCGGCTTGGAAGTAAATCCACTTCC
TGCTTCCGCCCTCAGGCTAGAGGGCGAGCGCTTCGCCGTGGGACTTCTCTGCTGGCTC
CGCCTTTTGCCCGGAAGTACTCACAGCGGACGGTGGTTTTTGGGCCGTTTCTGAGCAG
CGCTTCTTTTTGTCCGACATCTTGACGAGGCTGCGGTGTCTGCTGCTATTCTCCGAGCT
TCGCAATGGTAAGCTTCAGGGGTGTGAAGTCGCCGGCGTTCTTGGGTTTGAGGACTCAGT
>EP73932 (+) Hs NINJ1; range -499 to 100.

TGTGTACGCTGGCCCGCAATCAGGGGAACCCGCACTCTGACGCTGTTACTAGGGGC
GCAGCAGGCGCTGTGCTGGAGCGATCTGCGGTTCCAGGGCGAACCCGCGCTGGGAAAA
CCCAGCGTGGGCGCCAGCGCAACGCGCTCGCTTTTCATGCAGTTTGCCTGGTGGCCAG
GGAAAGGTGCTTCTTGGCTCATTTTGTGGATTAAAGTGTCCGCGACGAGGTTTCAGAG
CAAGACGCAGCGCAGGGTCTCTGGGGCCATCGGCGTGCGCCCCCTCCCTTGTGGGGCC
CCGCGGGACGCTCTCAGGCCCGAGGGGTTGGGGTGCCCCAAACTGCGCGCTCTCAGCGT
ACAGCCTCCAGCCCCGGGCCCGCCCGGGTGGAGGCGGAGTCTGGGGCAGCAGCTCGCC
GCCGGGCGGGCGGGGGCGGGCGGGGGCGGGCGCGCAGCTGGAGCCTGCGGCTGAGGCT
CGGGCGCGCTCAGGCCCGGATCTGGCGGCTGGGCGGCCGACCATGGACTCGGGAACC
GAGGAGTACGAGCTCAACGGCGGCTGCCTCCGGGCACACCCGGCTCCCCGACGCCTCG
>EP73933 (+) Hs RAD51C; range -499 to 100.

GGGAAAAGCAATGTGGTCTGTGCGGGGGGGGGGGTCAAAAAGGGGGACGGTCAGCGGG
AAGAGCCAAGAGACTGCAACTCTACAAAGAGCACGCAGATTAATTCTAATGATTGTTCCC
TGAGCTTTTACACCAAAATAATGGTAAGTGGCTAGTGTGTGCCGTTACGCTCACTACT
CCCACTCGAGATCATTCTATTAATGACTCTGAGGCTTACCTAACAGGCCACGGTGGAG
GCAAGGAAATGTGGCGTGGAGAACCCTAGGGCTGGCTCTCCGTCCTATGGTCTCCGTC
CATCGTTTTACAGTCAGGGTGATATTTGATGAGGAATCTCTAAATGGGATTTTGGGGAA
TCAAAACGGAATGGTGCATAAGTGTGAAATTTACAAGACTGCGCAAAGCTGCAAGGCC
GGAGCCCCGTGCGGCCAGGCCGACCGCCGCTTCCGCTTTACGCTGACGTACAGC
CGCAGCCCCCAGCGAGGGCGTGCAGAGTTTGGCTGCTCCGGGTTAGCAGGTGAGCCTGC
GATGCGCGGGAAGACGTTCCGCTTTGAAATGCAGCGGGATTTGGTGAGTTTCCGCTGTC
>EP73934 (+) Hs RABAC1; range -499 to 100.

GGCATCAGCATCACCTGGGAAGTCAAGAAATGGAATATGGGCTCCACCCAGACTTGCT
GAATGAAAACATCTGGGCTAGGGCCAGGAATCTGTTTTAGCAAGCCCTCCAGGTGTTTT
TTTATGCCCTCTAGAGTCAGAAGGACAGCTCTGCACGGTCCCCATTGTGCTTCCCTGGG
AGAGTACACAACGCCCGCTTCTGCCGTTAGAGTTCCATAACGCCCTCGCTCCTGACAGC
CCACATGCACCTCCTGAACTACAACCTATAATACCCAGAGGCGCGCGCCGTCATT
TCTGGGATTATATCTCCCAAGGTGTTTTGCGAGTCAGACCGCCATCATAGCGCCATCCT
CTTAGTCACCGTCAGGACTACAACCTCCCAATACTCGGCGGCAGAACTACAGTCCCCAG
CTGCTCCGGGGCTGCGCCACGTCGACTCCGCTGGGTGGGGCCGGCGTGGGGCGGGGCCGG
CGGGGTCTTACAGGTACCGGGCTGGTTACAGCAGCTCTACCCCTCACGACGCAGACATGG
CAGCGCAGAAGGACCAGCAGAAAGATGCCGAGGCGGAAGGGCTGAGCGGCACGTGAGCGA
>EP73935 (+) Hs TBL3; range -499 to 100.

CTGTTTCTTCTGCTGTCCGCCAAGTGCCGATTACAGTGCTTTGCACACAGAAGGTGCT
CAATACATGAATGCCTTTGAGATTACCCGGTTTATTCATTTACCTACGTTATTTATCAAG

AGCCACACTGCGAGCCAGGGGAGGGTACAGTTGACGGCTCTACGCACGGACCGCACCC
GACAGCTGGTACCCCCACATCCCAGAACGCGAAAAAGCAGGAGTAAACGCTGGCTACAAA
TGCTTTTTTATACTGGTATCAAAGAGCCAGGCCACCAGCGATGCCACATCCGCCGGTCTA
CCCCACCGACCCGGAAGCACCCCTCACAGCTCACGGCCCTCCCTCCAGGCCGAAACGT
CTCCGCCCGCTTCCGCTTCCCGATGCAGCCGCACTGCCGAAGCAAAGATGGCGCCAAG
TGCGCGGCGCGGGGGACGTACAGTGGTCGCGCGCGGTGACGCCATCGCAGCGCGCC
GGGAGTGTGGCGTTCTGTGAAGAGTTTCGGTGCTAACCTCCCTCACGCGCGGTGGCTGCC
GGGACCCTAGCAGGTTTCAGTGGAGCGCGGCGGCGGCAACATGGCAGAGACCGCGGCC
>EP73936 (+) Hs SF3A2; range -499 to 100.

TGCGCCTGCGCACCTTGGGCCAGCCATGCCGCCCGCCTCCGCTGCGTGCGCTGGCGACC
CGTGGCTGCTGGCGTGGGCGGGGTACCGGTTGGTAGGAGAGACGGACCGTTGTTACATAA
CCATTAAACTGAAATAAACCGGACCAAGGTGGAACAGAATCAAGGCACCCAGCGATGGC
TGGCACCCCTTTCTAGAGCGGCCAGGCGCAGGCGGAGGGAGCGATAACGTCGCCCGGAGA
GTGTCAGCCGCTCCCTCGCGAAAGTTGGCCCCGTGCGGCCGAGCGGACCGAGGGTTCGT
TGAGAGCGTTGTGCGCACGCGCAGTTTGCTTCCAGGCCGCGCTTTCAGCCTCTCCCCCT
CCAGCCTTTTCTTCGCGCTCGGACCCTCTGACTACGCCGCTGGGCGGGCCAGGCAT
GCGCACACCAGAGGGCCGCTCTCATTTGCCCGGAAGTGCTTTCTTGGCCCGCTTCGC
CAAACGAAGTCGTGGAGTGGCGAAACGAGGAGGAGATAACGCGGCCCTTGGGCTCTGGTG
AGGAGTAGAGCGGTTGAGGGCGGCGGCCGACGCGGACCGGGGTTCCCTGGGGACAGC
>EP73937 (+) Hs RFC3; range -499 to 100.

GATCAGACATTTTCAAGCGATTCAATGAAGCTTTACTGGGTACCTGCCAAGTGAGT
GAAACCTGAGATGTATATATTCTAGTGCCGAGGACAGAGTTCCACACCTAGCAGATATT
TAGTAAATTTTGTGAATGAATTAAGTGAATGAAAGAATGAATAAATGAAAGGAACGGT
CTTCTCTGAGGTATCTGGATGTGACGCCAAAAGGGTCAGAACACATTTTCAATTCCGCT
TGATAATTTCTAGAATATAATAGACGGTGCGAACAAGAGAAAATAAATAAAGCAGTGAA
CTTCAGAAGTACAGGGGCATCGACGCGGAGCTGATTTTGTCTGCACACGCCCCCGTAGC
CTTTCCGTCCAAATCATTTACGCGGCCGCGACCGGTAGTGACGTCACGAGATTTGGAGC
TCGCGGGAAACTTGTCTCTGCGTTGTGGGGAGGACGCGCGCTCGCGCGGGATTTTCAAG
CGTAGGCCCCCGGAACTCGAGCTGCCATGAGCCTCTGGGTGGACAAGTATCGGCCCTGC
TCCTTGGGACGCTGGACTATCAAGGAGCAGGCGGCCAGCTGCGGAACCTGGTGAGT
>EP73938 (+) Hs KNS2; range -499 to 100.

CCTCTAGCTGGGTTTTGGGGGAGCCGAAACGAGCGCATGAAGCTCGCGGGCCTGGGAGT
GGGGTGGGGCGGAGCCAGTGGTGCGGCTGCGGCCGGGCTGCACCGTCCCCGGCCGC
ATTCTGGTAGGGCCACAGTCCGGCTGGAAGGGAAGCTGCCGAAGCGCTCGGTATCGCG
GCTGCGGAGTCGGAGAGGCCAGGGCCTGGCGGCCACCCCGCGAGCGCGCCCTGCCCCG
AGCGCCCCACCCCGTCCGCGTTACAACCGGGAGGCCCGCTGGGTCTGCACCGTCACCC
TCCTCCCTGTGACCGCCACCTGATACCCAAACAATTTCTCGCCCTCCAGTCCCCAGC
TCGCCGAGCGCTTGCGGGGAGCCACCCAGCCTCAGTTTCCCCAGCCCCGGGCGGGGCGAG
GGGCGATGACGTCATGCCGCGCGCGGCATTGTGGGGCGGGGCGAGGCGGGGCGCCGGG
GGAGCAACACTGAGACGCCATTTTCGGCGCGGGAGCGGCGCAGGCGGCCGAGCGGGACT
GGCTGGGTGCGCTGGGCTGCTGGTGCGAGGAGCCGCGGGGCTGTGCTCGGCGGCCAAGGG
>EP73939 (+) Hs DNASE2; range -499 to 100.

CTTTAATCAGGAAGGCGGAGGTTGCAAGTGAACCGAGATCGTGCCATTGCACTCCAGCCTG
GGCGACAAGAGTGAAACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGG
AAGAACAAGGTCCCAAGAGTTGGACCCAGGTTGTAGGGCTGGAATAAAAAATAAATAC
AACTTGTGCTGATCCAGAAACCCGGGCGGGAGTTGGGTGAGACAGAAGAGCGTGGGCT
GGGATTAGCTACCACGAAAGGAACGGTGCCAGGCTCCAGGAGACGCTGGAGCGCCGGG
CCCGTCGTGGGCGTGGTCTGGGCAGACTCAGCGTTGCCTTTTGCCTCTCCAAAACGCAGC
ATCGCGTCTCGGGGAGGAGTCTGTACCTCGTGATGTCCCCGCCCCGGTTCCAGGCAA
GTTTAGGGAAGTGAAAGGCGCCAGGTGCCAGTCTTGCCCTCTGATGTAACCCAGCGCCCC
GCAGTCCCGACACAGATTCTGGATCTCAGCCCCATAGCAGCTATGATCCCGCTGCTGCT
GGCAGCGCTGCTGTGCTCCCGCGGGGCCCTGACCTGCTACGGGACTCCGGGCAGCC
>EP73940 (+) Hs NEU1; range -499 to 100.

CAGTGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTCCAACCTGGGTGACAGACTCTGTCTCCAAAAC
AAAACAAACAAACAAAAGATTTTATTAAGATATTTTGTAACTCAGTAAATCTGTGAC
TCATTCTCTCCACGACGACAGGCGGCCTTTTTTTTTCCGCGCCCGGCTCTTTAAATCGG
CCCCGCCCTGTGACGTGTCTGGTGCCGCGGCCAATCAAAAAGCCCAATAAGGATGGTG
CCAGTCCCTTCTTACCCAGCAGTCCGCTTCCCGTTCGGGTACGCGCTCCGGGCCCTC
CAAGAGGGCCTCCAAGAGGGCCAATCGGAAGGGCAAGCTTCGAGATGCTGCGTGATCACG
TGGGAGGAGATGAGCTACTTGAAGACCAATTAGAGTCCGGGAAGCGCGGCGGGGCTCCA
GACCGGGGCGGGCTTAAGGGTGACATCTGCGCTTTAAAGGGTCCGGGTGAGTACTCCC
GACTCTGTGGAGTCTAGCTGCCAGGGTCGCGGCAGCTGCGGGGAGAGATGACTGGGGAGC
GACCCAGCACGGCGTCCCGGACAGACGCTGGGGGCCGCGGATTCTGGGCTTCTGGGGAG
>EP73941 (+) Hs ERH; range -499 to 100.

CTGTCTCTGCCCTATACCCGGTGCTGCCCATGGTACTGCACTCGACCGGGCCTTGACCCG

GAGTCGCCGATACTACAGCTGCCATGGCCGCCAAGTGGCATCTCTTCATTCCATCCACTT
CCGGATTGTCTAACCACCCCTCCTTTACAAAGGCACTTCGGGTTACAACCGACCTCCG
GCCAGGATACTTACGTTGCCGCCATTTTTGAGTAGGGCTAATGAAAGATGTCTGATGTC
ACTGTCTATACCGGTGATCACTTGAGCCGTATGTTAATAACGAAAGTACGGAAGACAGC
GTCTTGAAAAAAATAATTCTTCTAAAGCTTGAAACTTTCCCTTACCTTTTTGCCTTT
ATCGAAGATGGCTGAAACAGAGTCAGTAGCTGCTCTAGCTGCCGGAAGTACTGTGCCTC
TATGATCCAAAAGGCTCTTTTGCCTTGCACTTTGACGACTTCCGGCGGCTCCTCTCGCG
AGGATTGGCTGTAGCGGCTGTAGTTAAGCTCGTGAACGGCGGCGGTGTCGGCAGCT
GCTGTAGCGAAGAGAGTTTGGCGCGATGGTGAGAAAGGCTCCGCGGCTACCCGAGTCCG
>EP73942 (+) Hs TSG101; range -499 to 100.

TGTATGACTTTAGAGTCGGGAGAAATTTGCGCCTGAGCTAGAAATGCACTAGCCTACCAT
TATCACAAGAGCAAGTCAGTGACAGAACAGTTCTCTGACCGCCAGTGCAGTGCCCTCCCA
CTTGATCAATCAGTCATTAAGGCTCACTGGCAAGCCCTTCGTAATTCTTCCCTCTCCGGC
ACTAGCTTCTTAAGTCGACTCTGTGAAATACCTGCTAATCTTATCTGAACCAGAGTTT
CGACCCTCGGAACAGTCTTGCCACATCTTTGGGACCCGATTGTCCTGCTGATTCCGGC
ACTCGAGGGGCGGGTGGTTGGAACCCACCCACCAGGCCCTCTCAATCCCACACGGTG
TCCACCTTGCCCGCAGGACGGCGGCGGGAAGTGACGTAGTGGAAGCGGAAGTGGTGTA
GTGGTGCCGACTTCTGTTGTTGAGGCCGGGTGGGGGTGTGCGATTGTGTGGACGGT
CTGGGGCAGCCAGCAGCGGTGACCCTCTGCCTGCGGGGAAGGGAGTCGCCAGGCGGCC
GTCATGGCGGTGTCGGAGAGCCAGCTCAAGAAAATGGTGTCCAAGGTGAGGCTGCGACGC
>EP73943 (+) Hs SMC2L1; range -499 to 100.

GACGCCGGTGTGAACATACTATCTGCTCCTGTAGTGCCAGGCCCTGCCGGGGAGTC
CCCGGAGCTACCATTATCGAGACTCTATTCTATTGCCCTGCGGCTTTAATCCTTCGAGT
GTAGGGGAAAAATTGAACCTAAAGACAGGCACTCCTAGGCACCAGCACAGGAAATAAG
CAATGGAGGTGGGGTCTTTGCTCGCGCCGAAATCAAAGGAATAAATAGTTCCGGCGCG
GGTGTGAGAGCGGTGTGGCAGGTGTTGTAGCCGCTATGGTGAAGTTCGCTTTGTAGCGG
CCCCGGCTAGAGAGTTGTTCTGTTCCCTGCCTTTGTGACCCGGAGGAGCTTTGGGGTGC
GTCAAGCCCCTGGCCTGAGGCAGCGGTGAGGCGTGTGCGTGAGCACGGCCGGTGGGCCG
GGCCAGACTTCTGGCGGGAGGCGGGAGGCGGGAGGCGGGGCGCGGGGCGCGGGGCTGT
AGGGAGGGGGACAGTGGCAGAGGGACCTTAGGTGATCCTTAGAAATAAAGGCTAGCTTC
TGTTGACCTTGAGTAGGGCGAAGAGGTGTAGACAGGCTGGAGAAGCGAGGTAAAGC
>EP73944 (+) Hs IGFBP7; range -499 to 100.

TGTGGCCAGCGGGGACACAGTCCACAAGTGGGGTTTTTAACAGCTTGTCTTAAGAGAG
CTTCCCAAACACAGAGTAATTGAGCACTCAGGTGTCTCAGGCCACGGAGGATTTAATAG
ATGAAACCCTGGATCGTCTCGAAGCCGTGTTGTTAAGAAGTTTAAATATATTGACCGGA
AACGGGGAGAAACCAGAGGGTGAAGAGCCGCTCGCACTGCGGTGCGATCCCTGAGGGCT
CGGGGCAGGGGACTGGGGACCGAGCAGGAGCTGGCGGGGTGAGCTCTGCGAAGCGGGCGT
GAGACCGAGCGCCATGGGCCGTGTCGCGGGGTGCCGCTCACCCCCGACGCCAGCAG
GAGCGCGCGCAGGCCCGCGGGGCGGGAGGGCGGCAGGGCGGGGCCCCGTGCTCT
CACCGCCCCGGGTGTGGTTCCCGCGACAGGCCGGGCGGGGCGGGGTTTAAGGCGCC
GGCCGGCCCCGACACGGCTCACTCGCGCCCTTGCCGCTGCCACCGCACCCCGCCATGGAGC
GGCCGTGCTGCGCGCCCTGCTCCTCGCGCGCGTGGGCTGCTGCTCCTGCTCCTGCCCC
>EP73945 (+) Hs S100A10; range -499 to 100.

GATAGTGCCTCTGAGGTGATAGGACTCCACGTGCCACTCCCTGCAGGGTCATCCAGCAA
GTAATTCTAGACCCGTAGGTGGCCGACAGCCGGTTACCTCTGGTTCTGCGCCAGCGTG
CCCCACCCGACAGGACGGCCGGGTCTTTGATTTGTACATTTCTAAAACCAAACCCGAGA
GGAAGGGCAGGCTCAGGGTGGGGATGCCCTGAAATATTCGAGAGCAGGACCGTTTCTACT
GAAGAGAAGTTTACAAGAAGCTCTGTCTGGGGCGGGCGAGGCTCTGCGAGGCGGGTCC
GGGAGCGAGGGCAGGGCGTGGGCCGCGCCCGGGTGGGGGAGTCGGGGGACAGGAAGA
GGGGGAGGAGACAGGGCTGGGGGAGCGCCCTGCCGAGCGCCGACAGGCTCCTCCGCTC
CCGCGCCGCTCCCTCTACCCACCCGCGCACGTAATAAGGAAGGCGCACAGCCCGCCGC
GCTCGCTCTCCGCCCCGCTCCAGCTCGCCAGCTCGCCAGCTCCGCCGCGCTCGG
CCAAGGTGAGTCCGCCCGGCCACGCGCCCTCTGGGTAGTCCCAGGCCCGGACCTG
>EP73946 (+) Hs HEXA; range -499 to 100.

CGAAATTTACATCACAACTGTTGTTTAACTCCTCCGTTTTTCTGCTTCTGAAGTT
ACTTCAGCCTGGCAAGTCCTTACCTCCCCGTAGGCCTGGCGAGCTGCATCACAACATTC
AAGATTACCCCTAGAGCCATCTGGGAACTTTCTTCTCCAGGTGCGCCTGCGTCTCGCC
TCCCCACCCGTTCTTCTCGAGTCGGGTGAGCTGTCTAGTTCCATCACGCGCGCACGGC
CGCAGGGGTGGCCGTTATTTACTGCTCTACTGGGCCCTGAACAGTCTGGCGAGCCGAG
CAGTTGCCGACGCCCGGCACAATCCGCTGCACGTAGCAGGAGCCTCAGGTCCAGGCCGGA
AGTGAAAGGGCAGGGTGTGGTCTCTGCGGTCGACAGGCGCAGAGCCGCTCTGGTCAC
GTGATTCCCGATAAGTCACGGGGGCGCGCTCACCTGACCAGGGTCTCACGTGGCCAGC
CCCCTCCGAGAGGGGAGACCAGCGGGCCATGACAAGCTCCAGGCTTTGGTTTTGCTGCT
GCTGGCGGACGCTTCGACAGGACGGGCGACGGCCCTTGCCCTGGCCTCAGAACTTCCA
>EP73947 (+) Hs EIF3S6IP; range -499 to 100.

ACCTTCTTTGAGAAGTCCCTATTTGAAGAGAGGAAAATTGAGGCTACTTGTAAACCCTCTT
ATTCTTTTTTAGACGGAGTTTTCCCTCTTGTGCCCAGGCTAGAGTGCAATGGCGCGATCT
CGGCTCACCGCAACCTCCGCCCTCCCGGTTCAAGCGACTCTCCTGCCTCAGCCTCCCGAG
TAGCTGGAATTACAGGCATGCGCCACCACTCCCGGCTAATTTTGTATTTTAGTAGAGAC
GGGGTTTCTCCATATTGGTCAGGCTGGTCTCAAACCCCGGCTCAGCCTCAGGTGATCC
GCCCCCTCGGCTCCCAAATGGTGGGGTTACAGGTGTGAGCCACGGAACGCGGCTCCT
CTTCTTCTGGATATGGCTGTCTCAGATGGCCAGAGGCTCGGAAAGGCTTCCGGTTTCC
CGGCAGGCCCCAGTGGGGCTGAACCTCCGGCTCAGGACGAGGCGCGGGCCGCTCATT
CGCTCTTCCGCGGTGCTCGCAAGCGAGGAGCCATGTCTTATCCCGCTGATGATTATG
AGTCTGAGGTAAGGTGGCCGTAAAGGGCGCGGTGGGCTCCACGACGGGGTGATCTCTGGGA
>EP73948 (+) Hs KHDRBS1; range -499 to 100.

CTGTCTTCTCCCCAGGCGGTCTCAATTCTCTCTCCCTCCCTTTCCGTGACCCTCTCGG
CAGTCTTTTACTTCTTACTTCGGTGACCGCCCCACCCACTCCCCACAGCCTCCCTC
CACTGCTCAGCCGTTGGAGAGGGCGTGGCCCCGCGAGTAACAGGTCTCCCGCCCCACT
CCGCGGGCCCGCGCGCAGACAAAGACATTCCACAGCTCCCGCCCCCTCCACGCCAGAAA
GGGAGGAGACAGTGTTCGCTAGCGCCGAGTACGTGGAACGAAACGAAACGAGGCC
ACTGCCTCCCGCGCATCAAGCTCTGGCCTGGCGGGAGCGGAGGGAAGCCAGAG
TCGGGAGGCGACTTCTCGGACGCCGCGCGGTGCGCAGGCGCCGTGGCCGGAATGGGGAC
TTTGTCTCCGCGGAGAAACCAAGGGCGGTGCCGTGGCTGGCTGCGCACGCGCGCCGC
CTCATTTCCGGTGCTCTCTCTCGCTGGGTGCTCGGGTGGCTTCGGTCTCGCTACCGCTCC
CGCTCTGCCACCCCGCAACCGCGCTCGGGCTCCGTCTCGCTGCCGCGTCTGTTCTCG
>EP73949 (+) Hs HSPE1; range -499 to 100.

CCCTCCGCTCTACTCCCGCCCCGCGGACCGGTGTGCAGGCAGCTCCACCCACTTCC
CGTCAGCCCCGGGCCCTGCAATCTGCACACCCTGCGCGAGCCCCGCCCTCCCTACCCG
CGCAGGGTGTGCTAGCGCGCTCAGCCCTCTCCGGCCGGCTTAGTCTAGTTCCCGGGCCTC
GCTCGGTTCCAGAACTTCCAGAAAATGCCGCGCTCCCTACGGCTCAAGGGTCAAATCGC
GTCATTTCCGGGAGGGGACGAAGGGGTAGTTCTTTACCTCGGCTGGGCGCTAGAAAAG
CCTAGAAACAGCTCCTTTTTCTTCCGCTCCGAGTCTTTCGCGTCAGCGTCTGCGCAGG
GCCCTTGGGGCGAATCGCGGTGCGCGTGGGGCGACCGCCCTCCCTCCCTGGGAGGGGCG
AGGGGGCTAGCGGCGACCGCTGGGGCGAGCGCGCTGCGCGCTGGGTGATTTTTTACGT
GTCGCCAGGGCCGACTGCGAGTCTCTTTCGCGCGCTACACTAGAGCAGAGTACGAGTCT
GAGGCGGAGGAGTAATGGTGAGTCCCGGTGGCCCCGAGGCTGCAGGCCGGGGCTGT
>EP73950 (+) Hs ABCE1; range -499 to 100.

AATTCAACTGCCGGAATTGGGACTGGACGCCACCAAGTGATAAAATATGGAGCTCGGAA
AAGATTGGATTCCCGGCCCTGAACTGACCACACAGTTGAGAGGAAGTTGAGGCCTAGAA
AGCGCGCAACAGTAAGCCGTGTCGGCACCAGACTCTGTTGGTCTACTGACACCTCCAGC
GTTAGAATGACTAAGGCTCCACTCTGACCCACCGGCTTGAGGAAAGCGCAAACGTAAA
AAAAGATTGAAACCGAGAGGCGAATGCATCTGTTTACGCTAGGACCACGCTCGACGTCG
GAGAAAAGCCCACACACTCACAGTTTCCAGACCTGGCTGCTTGCCGAAACTCAGATTCTC
GGCACCTCCAGCAGCTGGCTTCGCCAACGGCGTTGAACAAGGGTCGAGCTCAATGACGT
CATATCTCCCTACCTACCTCCAGGGTTCGCTCTACGCTCTATGTGCGCGCGCGCACTA
CGTCTATGGCTTGCGCGTGGCGGCTGGGCACCGCCATTTTGGCCGTGGCCGTGAGA
ACACGCTGTGTGGCTGAAAAGTGAAGGCAAGAGCTGATTTGGCCTCTGTGCTCCCTCCG
>EP73951 (+) Hs SNX3 P1; range -499 to 100.

AGAAAGGCATTTTCAGGGGTTACAGTGAGACGGTGACAGGTTGGCAGAGTTAGTAG
GGGCAGTTTTGTTTCGATTTGCGGGCAAATCTCTAAGATCTCTCCGTTTAACTTTGCCC
GCAATTTCCAAAGCCGCTAAAGCCGTTTCCGGCGCTTACCCCGCCGAGGCCGAGGCTG
GCGCAGAGAGACAGGAAGCGCCAGCTCTGGGCGTCTGGGTCTCTCGCTCCTCGGCCGAG
CCCCGCGGCGCGCTCGCGGTGCTATTGTGGGCGCTGTAGTCCGGCCGGAACCTGTTTG
CGACCCCGAGTCCCATGACACCGCTTCTCTCACACCCAGTCCGAGTGCCCTCCCA
GCCTCGGCCGGCTCCCGGGAGCGGGCGTGGCGTTCCAGCTAGTGAGCCGTTTCTCCC
CTGGGCTCGGAGGCGGAAGCTTGAGGGGCGCGGGAGGAGCTTCGCGTGCGGGGTGAACG
CCCCTCTACGTGCTGTTCTCTTCGCGACCGCTGCGCGGAGCCCCGTGTTCCACGGC
GGGCAGCAGCGGCGGCGGCGGCTGAACGCGGAGGGGGCGGAGGGAGCCGCGGCGGC
>EP73952 (+) Hs SNX3 P2+; range -499 to 100.

TAGGGGCAAGTTTTGTTTCGATTTGCGGGCAAATCTCTAAGATCTCTCCGTTTAACTTTCG
CCCCTCAATTTCCAAAGCCGCTAAAGCCGTTTCCGGCGCTTACCCCGCCGAGGCCGAGG
CTGGCGCAGAGAGACAGGAAGCGCCAGCTCTGGGCGTCTGGGTCTCTCGCTCCTCGGCCG
CAGCCCCGCGGCGGCGCGCTCGCGGTGCTTGTGGGCGCTGTAGTCCGGCCGGAACCTGT
TTGCGACCCCGAGTCCCATGACACCGCTTCTCTCACACCCAGTCCGAGTGCCCCCTCC
CCAGCCTCGGCCGGGCTCCCGGGAGCCGGGCGTGGCGTTCCAGCTAGTGAGCGTTTCT
CCCCTGGGCTCGGAGGCGGAAGCTTGAGGGGCGCGGGGAGGAGCTTCGCGTGCGGGGTGA
ACGCCCCGCTCTACGTGCTGTTCTCTTCGCGACCGCTGCGCGGAGCCCCGTGTTCCAC
GGCGGCGAGCAGCGGCGGCGGCGGCTGAACGCGGAGGGGGCGGAGGGAGCCCGCGGC
GGCGGCGAGCTACAGCGAAATGGCGGAGACCGTGGCTGACACCCGGCGGCTGATCACC

>EP73953 (+) Hs ELAC2; range -499 to 100.

ATGCATACGAATTACAATGGAATAAAATTAGCAAAGCGCTTATGCTAATGCTCAATACA
ATTGATTTCTCTCACATTTAATCCTCACAACCACTACAACCACCTCTAACTCAAGCTCTGA
GGGACTGACGTGCCCGGAGGACACAGCTCTTATCTGGTGAGAACAGGAGCGTTTTAGCGA
AACTCCAAACTCTAGGTCCCGCTTCCCCAGGAAGGCTTTTCTGGCACTGTGCTTCCG
GAAGTCCCGCCCCAGGAGAAAAACAGCTTCCGGAATAAATTGCGGCCGCAACCGGAAC
AGAACTAGGGGCGGGGCGCTTGAGACGCTCTAGTATTCCTCTACTCTATGGCCACTGTC
AATTGACAAGTCCCGAGCGGTAAAGCTCCTTTCTATTGGATGAGCAGCCTCGCGTAGGCG
GGAAGCTCGGTGCACGGCGCGCTGATTGGCTGGATCCGCCATGCGGAGCGGCTAGGTGGT
GCACGGGAAACGCGGGCGTAGGTGACCGGCGGCTTTCTCAGTTTTGGTGGAGACGGGCGC
ATGTGGGCGCTTTGCTCGCTGCTGCGGTCCGCGGCCGACGCACCATGTGCGAGGGACGC

>EP73954 (+) Hs WDR13; range -499 to 100.

CCACAACCTCCCGAGTAGCTGGGACTACAAGCGCCCCGCCACCATACCCGGCTAATTTTTG
TATTTTTAGTAGAGACGGGTTTTACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGGCCT
CAAGTGATCCACCTGCCTCGGCTCCCTAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCG
CCCGGCCCTACACCACTTTTTAAAGTCGTGTTTCTTCTCTTTTTTATAATGTTGTA
CTGATTTCTAGGGAATGATTAGCAAACTCACCCCTGACGCTATGTCCCTTGACATTATC
CTTGATACACAAAAAGTGCAATTAACGAGTGGGTAGAAGTCAAGGGGTGGAGCCTCCGT
CCTTGGGCTTGAAGCAATGTCCCTCAATGCGCCTGCGAGACTCCACGCCCTGGGAAGG
ATGCCTATCGATTGCTCTGGGCTCGGCAGTTCTTTCTGATAGCAGGCAGCCATCTTGCC
TGGAGCCTGAGAAAGGGAGGAGAGACAGAAGGAACCGGCGACAGTGGTCTCAGGGCGCT
CCGGGGGGCCTCAAGAACCGGAGGCAGCCCCGAGGTGGTCCCCGATCCCGGGCTATGCT

>EP73956 (+) Hs MAGEE1; range -499 to 100.

TTAGACCTGGCCAATCCTCAAGGTAAGGGCCCTAAGGGAGAACTGAGGGACTTCGCACCA
AGGACAGAAGAAGCCCCGGTCTGCCCTGCGCTGCCATAGGACTTGACAGCCACAGACAGG
AAGATGGCCGCGAGGGGTGACCGAGGCGTCCCCACAACAGAAGAAGGGAGGAGGTGCCA
GCCCTCTAGGGAATAAATAGGAAGACATTGAGGAGGACTGGGGGAACCCCACTCAGAG
GACAGCTTCCCAGAGATTCCACCCCTGCTCCTCATATCAGCCCTCGTAGAGCTCCTCAGT
CAGCTCAGGCTGAGCGGCAGTCTCTCATTGCTGGGGGAGGGGTGGAGGGGAGGGGGAGG
GGTGGAGGGGAAGGGGAGGCCCTTGGTCTGGGGGGTTCATGACAAGTCAGCAGGGAGAGT
TGCCTCCAGTTGGCAGAGGGAAGATTCCAGGCCCTGCTGGTGATAAGAGTGAGGACGGA
GAGGTCCCACGTGCATCAGAACAGACGTGAGGCCACCCGACTGCCCCGTGGTAGAGTG
CTGGGAGGTGGCTGCCACCTCGCTACCTCCCGCTGCTCTCAGGGATGTGGAGTTTGCCCT

>EP73957 (+) Hs APOH; range -499 to 100.

GTAGGGAATTAAGTTGTAAGTGCTCCTGGAAGACATTCTTTGTAATTATACATCTGAA
AACTGGAACATCATTTTAGAGAGGTGGAGACTGAGAACAGAGAGTAGGTGTTTGCCAAA
GTTTATATGCCAAGGCTGTGAGTGAAACAGGAGCTTCGATCTTTTGGTGTTCATCTACA
ACATACACAAAAACAAAGATGGAGAATGAGAAGTCCAGGCAACCCGGAACAACAAGTT
TCTGTCAAAAGCAATAATGAAGTGTGTTTGTGCCATTAACAAAAACGTTATGAAGACAGAA
ACCATCTCCCAAAGATTTTATAACAGAGCCACATAAGTGGAAGTAATGATTAAGAAT
GTGGGTCTCAGAGTTCCATTCAAATCATGATACTTTATCTTCTATTTACAAAGATAAAAG
TACACCAGAAAAATGGTTAATGTTAAGCGCTTTCATATTTGGCTCTGTCTTTTAGCAGA
CGAAAACCACTTTGGTAGTGCCAGTGTGACTCATCCACAATGATTTCTCCAGTGCTCATC
TTGTTCTCGAGTTTTCTCTGCCATGTTGCTATTGACGAGCGGAGTAAGTACTTTTTGCTT

>EP73958 (+) Hs TIMM8A; range -499 to 100.

TCCCTGGGATAGTGCTTCTGAGCAAAGGCCAAGAAATTATTGTGCCTGAAATTTCCCGA
GAGAATTAAGACAGACTGAATTTGCGATGAAAATATTTTTTAGGAGGGAGGATGTAAATA
GCCGCACAAAGGGTCCAACAGCTCTTTGAGTAGGCATTTGGTAGAGCTTGGGGGTGTGT
GTGTGGGGGTGGACCGAATTTGGCAGAAGTAAATGGTGTGATAAAGATGGGAGGGGAGG
GTGTTTTGTATAAAATAAAATTAAGTAAGAAAGCTTGAAGTCTTTGGTATCTCTAATCA
TGCAGCCTCCCTGAAGCGCCCTATCTCAGTATTCCAGAAAGCTGCTGTGTAGCATTAGTT
TGGCATATTCTACACTGAGAACTCGACAGGATCCTCCAGGTTAAGCCCTCTTGTTAAC
TCCTGCCTCTGAATCAAAGATGCATTAAGCAAAAACAGTGCCTGTACAGCACGCATGCA
ATGTTATTTGAATGAATCTGAAAGTTGGGCACAACTGCCATAGCCTCATTTCCCTACGT
CGGGAGAGGAAAACTCCATCAAAAAACGAAAGCCAGGGGCCAGGATAGCCAATAATCG

>EP73959 (+) Hs HNRPK P1; range -499 to 100.

CTTGACTGACGGGCGCCCCGACCATTACAAACAACGGGTTTCCGAAGCGTGGGCCCCGGC
CCAGCGGACGACAGCGGCCCGCACTTACCGCGCCGAGCTCGTCCCACAGCCACAGACC
ACAGCCCCGGGGCGGGGTAAGGGGCTTCGGGCACGAGTGTGGGCTGTGAAAACACGGGCAT
AAGTCTGGGCCGAGCACCGACCTGGGCGTCCCGCATTTTCTCGCGCAACATCGGTCCCT
GGGCAGCGCAACTGTAAGGACAGGAACCGCGCGCGCTCCAGTTCTTTTTTACCT
CTTCCCGCCGATTTGCCGCGCGCTCGCGCCCTCCTCCAACCCCAAGGACTCCTTCGG
GGCTGGAAAACGCCCTTCCCCGCCCTCCCTGTGCGCGTGAAGTAGGCAGTTGTTAGA
TCTCGGAGAGGTTCCGCCCTAGCCGCCCTCCCCCAGCTAGTGAGTGCGCGAACGAG
AAAGGAGGAGGGCGCTCCAGCGACAGCACTGCAGACGCCATTATCTCTGTTTCTCTGC

TGCACCGACCTCGACGTCTTGCTGTGTCCCACTTGTTCGCGGCCTATAGGTAATTGGAG
>EP73960 (+) Hs HNRPK P2+; range -499 to 100.

CTTCCCCGCCCTCCCTGTGCGCGTGAACCTAGGCAGTTGTAGATCTCGCGAGAGGTTTC
GCCCCCTAGCCGCCCTCCCCCAGCTAGTGAGTGCGCGAACGAGAAAGGAGGAGGGCGC
TCCAGGCGACAGCACTGCAGACGCCATTATCTCTGTTTCTCTGCTGCACCGACCTCGAC
GTCTTGCTGTGTCCCCTTGTTCGCGGCCTATAGGTAATTGGAGTTATTGGAGCTTGGG
TATTGCTGATTGCGGTAAGGGTTGGGGCTCCCTGAAAGGCTGCGTTTACTTTTCCCAAGC
CCGGGTTTTCTCGAGCCCTTAGTGGCCTCCAGCCCCAAGGGAGGCGCTGGCGGGAGGCG
GGGTTGTGCGCTCCTCCGTCGCTTGATTGACGTGGCCTCGGGCCAATCGCTTCGCCCTC
GCACCATCGCTGAAGCCCTGGCAGCCAATAGGGCGCGACGGCGGGAGGACGCGAGAAGG
CGGGGGAGGGGAGCCTGCGCTCGTTTTCTGTCTAGCTCCGACCGGCTGAGGCGGCGCGGC
AGCGGAGGGAGCGCAGTCTCGCGCGGTGAGGAGCCGGGTTGGGGGAGCGGCTCGTGGAGG
>EP73961 (+) Hs EWSR1; range -499 to 100.

GCTCCCGGGCGGACCCGAGAACCTGAATCCATTCCGCGCACACCCGGCCGCTGACCC
CTGCCGACCGGTGGCGGCCACCCATTCCCCGCGGCCCGCGGATTAGTCAGCAGTTGTT
CTAGTCCGGGTCCTTCCCCAGCCCTCCCGCGATCTCCGTCTCCCTGCAGGGCCGACT
CTTCAGCGACCGTCCCTAGAGCCAGCGGACGGAACCATTCAAACAGCCTAGTCTCGTGC
TGAGAGCCTCTCCGGTTTACGCTGAGACCCGCTCACCCCGCTCTGGCCCTTAGATGC
TATTTTGGCCCGAGTGTCACGTGCGGCGCTCTTAGAGAGGACTGGGACAAGAGTTGCGG
ACGCGAAGAACGAGTAAGCGGTGTTTCATCCCTCCTGACCCACCCCGTGGCTGGCCC
GATGGTCGCGCCCGGGTTGCGAGATTTGCGCCTGCGCAGTGCGGCGCCTAGAGGGAAAG
CGAGAGGGAGACGGACGTTGAGAGAACGAGGAGGAAGGAGAGAAAATGGCGTCCACGGGT
GAGTATGGTGGAAGTGCAGTGCAGCGGCGGTAGCCGGAACGCCAAACTGGGGTTCGTT
>EP73962 (+) Hs RPL39L; range -499 to 100.

ATCTGTGTTATGGGAGTGGAATACTGACTCCAGGCAGGGAATGAGACAATTGTTAGAG
ACGCAGGGATGGAGCTGAGAGTCTCTCGTCTCCAATGGCCCGCGGTGGCTCGATGG
GAGGGAGAGCGCCCCCTGGAGGCATTGGCGGTTCTGGCTCGTGTGCTCGCGGAACCCA
AGCTGTGAGCCTCTGGCCCCGCCAGGGCGTACGAATCCTTCTCGTTTATCCAGTATTA
AGTCACGCTGTGTGCTAAGTACCGTGGCCAGGCAGCAGCTAGACAACGCGCTGAGGTAAA
ATAGAGAACTAAGGAAGAATGGGGGACCCCAAAGTCAACTTGGTGACACATCACACGCAG
GAGTCGGACCCACGGCTCCCCGAGCCACAGCTCAGTGGGGCGGGACCCCGGGCCTGGG
CGGGGCCGGGGCGGGCCGTGTACGGGGGAAATCACCGCCCTAGCATCCGGGGAAATCGC
GGTCTTAGCATCCGGCGCGCGCGGTGAAATTGCTGCGCCAGCGAGGCAACCGCCTCCG
AACGCCAGGTGGGGCGAGGCGTCTCGGAGTCTCAGAGACACCAAGGCCCTGCGACAAG
>EP73963 (+) Hs CAMLG; range -499 to 100.

GAGAACAGTGGCGCATCTCGGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCTGGGTCCAAGAGATTCT
CCTGCCTCAGCCTCCGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGGCCACCCCGCCGGCTAAGT
TTTTGTATTTTAGTAGAGACGGGTGGGGGAGGGGGAGGGGGTACCATGTTGGCCAG
GCTACTCTCGAAATCGTGACCTCGTGATCCGCCCGCTCGGCCTTCCAAAGTGCTAGGAT
TACAGGCGTGAGCCACCACTCCCGCCCTGGGTGCTGGTTTTCTTACCTCCGAGTGAAC
AGCAGAGGGGGCTGTTGGGTGAGGGCCAGAAGAGTTGGGGAGGCACGAGGGCGTCCAGCG
CTGCCCTCACTCAAGATGGCGGCCAGAGCCTCGCGCTTGGTTCGCGTGGGGCGGTGCGTGA
GTGCTTAGCTCACAGGCTCCGGGACCGCGCTCGGGGGCGGGTCTATAGTGGGAAGGGGAC
GCGCGCCTGCGGCCCGGCCTCTAGTCATCGCCCTCGCAGCGGCGGCCAATACACCGCC
ACTGCCACCCCTCCAGACTGTGGACGGGAGGATGGAGTCGATGGCCGTGCTACCGACG
>EP73964 (+) Hs TBPL1; range -499 to 100.

TGGACGGTAAGGACTAGCTTTAGCAATTATATAATGGGGGGTGGGGAGGACCTTTTGTAT
AAATTTAATGAGCTGATGAGAAAGTTCTACGGTTTTGACAAAAAAGTCCACCTAAATATT
CGACTGTATGCCAGAAATTAACAGCTTTAGATATCAACTAAAAATATACAAAGGATAC
ACGGTGTTTTTCAGAACCTTTCAAGCGGTTCTTAAACAAAAAAGTCTAGTCCGATGCCA
TTAGCGCCGCCCATCCACCTCTTACCTCCACCGAGCCAGCGGGTGGGCAGGAGGG
GCCTGATTTGGGGACAGGAAGGAGGAAGGAAGGGTGGGGGCGGGGACGGGGAAAGTGA
CTGGAGCAGTGAGAGCCGGAATGAGTGGCTAGCGAGGCACCCAGGAGCGCCTGTCCGG
CGGCGCTCTAGCCCTCGCGCACTGTCTCTATGCTCCCGAGCGTCTAGTCTATTTATTGTC
GCGGGGAAGCTGCGGCCGCTCGACCCGGAACAACAAGCAAGGAAGACGGAGTCCGAG
CCTCGGGGGCTCTAGCAACGGGCGGGGCGGGAGTTCCATGGAGACTGGGGAGCGCGCC
>EP73965 (+) Hs RNF7; range -499 to 100.

ATCATTTTACTCAACAAATAATTGTGCTCCTGTGGCCAGGCATTTTGCAGATACGG
AGGATAATGTGGTGATAGCAACATGTTTCCTGCTCTGATAGAGTTTACATTTGGGAGGG
AAGAGACAAACGAATAAATTAACAAGATAATTTCTGAGAGCAGTAGGTTAATGAAGCCG
TAAAGCAGGACACATATCCCTGCACAATCTGTGCGCTGCTCAGACGTAACACCCCGCAG
CGCAGCAGGCAGATTACGCGGCGTCGCCCCATAAGGGCCCGAGCCCTCTAGTTGGCCTA
GGACGGCGAGGGCGGGGCTGCCCGCCCCCTGGCGTGGCGTCAGGTGACGTCACTGTG
CCGCGCCAGCCAATCGTGGGCAGCCGGGTCTAGGCACCACGGTGGCTGGCGGCTGCGG
GCGGCGCTGTGGCCGTCGGGCGGCTCCACAGAGCCGCCCTAGCCTTCCGCTTCCCCAA

GCCAACGTCTCCGCCGTCCGGCTCCGCGGCGCCGCATGGCCGACGTGGAAGACGGAGAGG
AAACCTGCGCCCTGGCCTCTACTCCGGGAGCTCAGGCTCCAAGTCGGGAGGCGACAAGA
>EP73966 (+) Hs RFP; range -499 to 100.

GGCGCCTGCCACCACGCCCGCCAATTTTCTATTGGTAGTAGAGATGGGGTTTTACCAT
GTTGGCCAGGATAGTCTTGATCTCTGACCTCGTGATCCACCTGCCTTGGCCTCCCAAAT
GCTGGGATTACAGGCGCGAGCCACTGCGCGCGGCCAAAGCCAGCTTTCTTTTGCAGGGGC
TGAGACCTGGCACCAAGAGGAAACCAACAAAAGACGAGGGGCCCGGGCCCGGCAGCCGC
TGAAGTTTGTAGGCCCGGAGCGTGTGGCACCATCTGCTCTTGCGACCAGTGCCCTAGGAT
AGAGCTTCAGCGCGACCAGTCCAAGGAGAGTGGCGGAGCCTCCTCGGCTTTTCCAAGAG
GAAACAGCTCAGGCCCCCAGGCCACGAAACCTTGTCACTCGCTGGAAGCGCGAGCCAAGC
CCCCCCCCCGCGAGCCGCCTCTTCCGCTCGCGCTGGGGTGGGGTTTACGCTGCCGCCGGC
ATCCGCTCGGACGCGGCCACGTTGTCTTGCGCGCTTTGCCCGCTGGCCCTGGGACTCTG
ACCCTCGGCTACCCTTTCTGCCCCACTAGCGTGGCCGCGAGCCTCGGTGAGCCGGCCGT
>EP73967 (+) Hs NOLA3; range -499 to 100.

TGGTTCGACCCTGAAACATGCTTCACCACTTTTATAAAATAAATTTACGCTCTTTTCGCT
TTACGGAATATTGATACTCAACATGCAATTTTACCGCCAACGCTTTGAAATGGAGCAGG
GGAACCTGGATGTAAGAGAGGGGAGGGAAGAAAACCTCTTCTTTCTTCCCTAGGGTAAAGG
GGCTCTGAATCCTGGAGCCCTTGTCTTTCAGGCATTGAAAACCTCACTGCTCTGAAATG
GGTGTGTATCTTGAGACAAAGACAGGCTTTTATACGTCAATATTCTATCCACATCCATCC
CTACCCCCCTTAACGCCGTGTACCTAGCACACAGTAGGGACACTCCACGTGTTTTAGCC
TGCAAAGTTGCAAGTAGGGCCCCAAGCCAAGCCCTGCTCTCGTGCGCCCCCTTCTGGCTA
GCTGAAAACAAGGCAAAAATTGACTACATTTTCCGGAGTGCCAGGAGAGAGAGACTTCCG
GTTATGCAGGAAGGAAATTGACGAACACGTGACGCGGTGCGGCGGACCACTGCAGACTGA
GCGGTGGACCGAATTGGGACCGCTGGCTTATAAGCGATCATGTTTCTCCAGTATTACCTC
>EP73968 (+) Hs ING3; range -499 to 100.

TAGAGTGAATAATGAGGATAAATTCCAGTAGAGAGTTCTATTTTAAGCAATCCAAATCC
CCGAACCTTGTGATTATTCTAGTGTTTAGAACCTTTGCTATTTGCCTGGCACTTCTTGA
AACCCATAACTCACAAACGCCGGGCATGGAATCACATCAAAGAACAGGTGAAAAGTTGT
TCCTAGTTGTGTTATGCAGGTGCATACAACTCCCGCCATTCTCTGTGCAAAAATCAACAA
ATAAACAGAGGCACCGCATTTTCGATTCTGTTACGCACTGTTTGCAATGGCGCCCGGTAT
TCGTAGTTTCTGCGAGGGGAGCCGCCAGCGCGCCAACCTCGCTGAGGAGGAAGAAAACCT
ACATTTCCACAGAGGCACGGGGGCGAACACCGGCCGGGCTACGTCATTGCTTGAACCAA
CCAATAGCAGCTCCGGGCGGACGTGAGGCAAGCGCCTCAGGCGCCAAAGTGGTTTTTTTT
TTTTCTTTTTTTTTTTTTTTCGGAGTTCGAGCGGGTGTCTAGCGGAGGCGCCATATTG
GAGGGGACAAAACCTCCGGCGACAGCGAGTGACACAAATAAACCCCTGGACCCCTTGTTT
>EP73969 (+) Hs PPAN; range -499 to 100.

TGGAGTTTCCATCCCTCAGCCTGTCTGCAGACAGGGGTACCCGGGGAGGACAGCTGGCCC
AGAGGAGTTGCGAGACTAAAGTGAATGATTGCCACAGTCATTCCCTCCGGTGGCTTCTCC
CCAAGTACTTGGCGCCAGAGCGCCCAACATTGTGCATACATGGTCGCTCCTAATTCGTGG
GCCCGGGGGACATTATCAGCCTTACTTTGGGATATTTTAGGAGCCTCGGAATGCAGAAAG
TGTTTTTAGCCAGCTGGAGGAAATGGGCCGAAGCGGGATTGCAACCGCGCGGATTCTGTT
CTCTGCAGCCCCGAGCCGCTAGCCCCGCCCGGTCTCCCTAGAAACAGGCACCCGTGTC
TCCATAGCAACCGCTCCATCTGATTGCCCCCTCCCCGCTCCCAGAGGCCACCTAGTGCGCA
GGCCCCGCTGATGTCTGCCACGCCGTGCCGGCTCTCAGGCGCCGGAAGTGAGCTGCGCA
GCGCCGGAAGCGGCGGACGCAAGGAGCCTCGTGGAGGACACAGCAGCATGGGACAGTCAG
GGAGGGTAAGGCCCGGCAGCTTGGGAGGCAAGTGGCGCAGGTGGGGTCCCGGCCGAGGTC
>EP73970 (+) Hs CUL1; range -499 to 100.

AAAGGGAGTGCTATTTCTTTTATTTTTCAGCCTCACCAACATTTGCATTCTTGCTGAGT
TCTAAGTGAAGAGCTACTAAAAGTACATAGGTAACCCGTGAGATTGTATGATTTTTCTAT
TTATTAGCTGTTTGTGTTCTTGGGAATTTCTGTAGCATATCCTTTGCCCTTTTTTCTTTG
AGTTTGTCTTTCTAATTGTCTCTAGGTCAAGTGATATATATTTTTGATAACTTCCGAAG
GCAAAGGAAGGCAACATAGTTGTGCTTGTGCAAACTTTTACCCAGGTTTTCTCTTGAGTG
CTGATATCATAATGATTTTGAACATAAATTCTAAGCGTATTTTTGTACACAGACCATATG
GTTAACATGAATGTGTTTGCACATAGAAAGAGAAATGGTCTCTAGAGTGGGCCCTGCAGA
CTGAGTTTTTCTGTCAGTGTGTCTCACCTTATTACAGTACCCAGAGACAATCCACTGAT
TCTCTTTATTTCTCTCAGTTTGCCTGCAATGAGATTTCTATTCTCTACATTTAAAGGA
CATCTTTCTGAGCTGCTGTGAATAAATTTGGAATGGTACTGTATATTTTCTATCTAATGG
>EP73971 (+) Hs NAT8; range -499 to 100.

ACCTGTTGACTGAATCAATGAATGGGTGGAGGTGGGGGTTGGTGAGGTGAGTGCAAAGAA
CTGCCAACAAATCGATGCTTTGTGGACCAGGGAACCTCAGCATGGAGAAGCCTAGCTGGG
AAGGGCCTTGTGCCAAGTGTGGGACTCGGCTTCTGGCCAATGGTGAAGTGCAGGG
TGAATGGCACAGTTCTCAGGCTCGTGGTATATGTGTACAGGGACCAAGGTGGATCTCAGA
GAGTATCAAGTGTGCCAGGTGGCAGAAAGATGCCAGGGCCTGAACAGGCAAGAGAGGTG
GCAGGCCTTCCAGAAGGGCAAGGAACCCAGGCGGTTCCAGACCTGAGTTTCCCCCTCCA
GGCCATTCCCTTTGACTATAAAGGGGAATGCACACTGGGCTCCCTGCTGTGTACAGCCC

AGCTCTTTGACCTAGGGTTGATGATTACCAACATTACAGGAGCCAAGCAATGAGGCAGG
CAGCCTGCTTTCCAGGGGTGAGCAAGCCCCAGACGGTATCTCCTGGATGCCAGTGAGCGG
CTGACAGCTGAAGCTCCCTGGACACTCAAGGCTCTTGTGGTGACAGGTGAGGGGACTGGG
>EP73972 (+) Hs HERPUD1; range -499 to 100.

TTCCCCGTAGGTTTCCACGTGGGGCCACAGAGGCAGGAAAAGGGGAAGTGGGCACTGACA
CCTGGGGTGAAAAAGGGTGGGGTGCGGCTTTGTGAGGAAAGAATTTGCAGAGACTGCTA
AACTGGGGTCTGCTAGGATACCCACTCCCCACCCCTGCCTCGGGCGCCCTCAGCCACC
CGAGCTGGGGGCTCGCAGGTCTCAGACCAAGCTCCCCGCGCGGCTGCAGCGCACCCAA
ACATGGCCACCGAACCCGGGTTCGCGGGGACAGCCGCGCTCTGGGTGACGCAGACGCG
GCGGGTTGCATCAGCCCGTGCCACGTGCTCGGTCCGCCCTCTGCCACCCGGATCCGGAC
GCCGATTGGGCCACGTTGGGAGAGTGCCTCCGCCTCAGCCAATGGGCGGCAGCCACAGAG
CGTTCTGTCCGACAGAGCCGGGCGCGGGGCTTCTATAAAGGCGCCGAAGCGGGGCGCG
CGCCCCAGAGACGTGAAGTGTGCTTGCAGAGATTGCGGGCGGCTGAGACGCCGCTGCCT
GGCACCTAGGAGCGCAGCGGAGCCCCGACACCGCGCGCGCCGCCATGGAGTCCGAGACCG
>EP73973 (+) Hs NIT1; range -499 to 100.

AGTTTCGAGCTGTCTTGCCAGCCATAACCTGTTTGGAGAGGCTGAGGAGAGATAGAGAA
AGCAGCAAACCATCTCCCTCAGACCTGTGCATCTTCCAGACCCTACATGTCAGGGCTT
TCCCTTGTCTCAGGCTCACCCACCACTCACGGAGGCGTGGCTCTCACCTACCCACCGT
CTACCTCTCCGAAGGGGTTCCGGCTAGCTTTTCCGGGGACCTTCCCTCTCTAGGTGCCAC
GCACATGTGGTGTGGAGTAAAGGCTGCACAAGCCACAGGCTCCCCCTTCTCGCTAGTA
TTCCAGACCCAGGTGGGTACCCTGCTTCGCGTTAGCCACTCCTCACCTGCTCTGCGGACA
CCGCCCCCTTCCCCGCGCGCTCCCGCTGCTTTCGCGGCGCGACCGCTGTTCTCCGCCA
TCTTCGCGCGCTGCTGGGTTTCCGGCCGGCGCAGCTCAGCCCCGCTTTCGCTCACGTCC
GGCCTGCGAGTTACCGCCACTCGCTGCGGCGCTTCTGGCTCCAGACCGCCCTCCGGATC
GGACCCTGCGAATGGTTTTGGCTATATCTTCATGTAGGACCTACTCCCTATCCCGTCGCG
>EP73974 (+) Hs POLR2G; range -499 to 100.

GGCCGCTCCAGGTTCAAGCAATTCAGATAGTTGCCGACCGGGCGCGGTGGCTCACTCC
TGTAATCCCAACACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGTGGATCACCTGAGGTTGGGAGTTTGAG
ACCAGCCTGACCAACATGGAGAAACCCATCTCTACTAAAAATACAAAATTAGTCAGGTG
TGGTGGCACATGCCTTTAATCCAGCTACTCGGGAGGATGAGGCAGGAGAATCGCTTGAA
CCCGGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCAAC
AGAGGGAGACTCCGCTCAAAAAAAAAAAGTTGTGTTTGATGGCTGGGGGGCGGGGGTGA
GGGGCGGGGCTTAGTGTTCTCGCCACGACGCGGAGGCCAATCAGACCCGCGGAGCTG
GTGGAGTTCCGCTTCCGCGGAGGAGGTGGTGTTCGCCCCCTCCTAGTCGACAGCAAGCGCGG
AACTGGGGTTGCGGCGTCTAAGTGTTCGCGTGGATTCCAGGGACTGTCGGAGGTGTGG
ACTCTGCCTGCCTACCTGGTCTGGGAAGATGTTCTACCATGTGAGCAGGGCTCAGGGTGG
>EP73975 (+) Hs VDAC1; range -499 to 100.

CGCCGGCCACATCAACTCCCGGGGGATCTAGCAGCGCGGAGGCCAAGCAGGAGGCCAGG
AGCCCCGCGCTCTTCCATTAGCGCAGGGACCTCCGGGCCACAGCTCAGAGAATCGGAAG
GCCTCCTCCCCCTTCCGAGCGCTGCCACTGGGGCCGAGGTTTCCAGCAAGAACCCGCGT
GTCCCTGCGCACGCACACAGGTGCACACGTAGTCCGCGCCTCCCCGTGCCCGACTC
ACGCAGGTCTCCCGCGCGCCGCAACACGCCCCGAGGCTCCTGTGTCTGCTGCCGGGGC
AGCGGGGCCCCGAAGGGTAAGAACGCGGCTCGCTAGCGGGATGGGGACCTTGCCCCGGCC
TGGACGCTGTCCCGGGCGGGGCTGGGGGCGGAGCGCGCCGGGCGGGCGCGCAGGAGGG
GAGGCGGGTCCGCGCCGCGCGCTCCGCGCGCCCGGCCCTTGGCCAGCCGCTCGCTCG
GCTCCGCTCCCTGGCTCGGCTCCCTGCCTCCGCGTCGACGCCCCGCGGTAGCCGCTCC
GAGCCCGCGCCACATCTCTGAGGTAGGCGCAGCGAAAAGGACCCCGGCTTCTTGCG
>EP73976 (+) Hs XBP1; range -499 to 100.

CTCGGCTCACTGAAACCTCTGTCCAGTCTTTTCAACCCAAGGCCCAACTGCGCTCTATC
TCGACTTTTCGGCTCCACTCGGATCCCGAAGTGGCGCACGAGATAAAATGTTGTAGGCTG
AGGTAATTCTCTGTTAGTCCCGGTAAAAATTCTGTCAGTCTGAAAGCTCTCGGTTTGAA
TTAAATTCTGTCACTCCGATGGAAATAAGTCCGCTTAAGGGGGGAAAAATCCGTTTGTGG
AGGACACGCTCCCGCACGTAACCCCCCGGAAAAATGACCCCAAGTACCTTTGGCCAGGG
ATTGCCGCTGCCACGCGGACTCCATAGCCACGGTCTGAAACGCCCCGCGGGCAGGCC
GGACCAATGGACGCGGAGCTCGGCCGTGCGTCACGCGACGCTGGCCAATCGCGGAGGGCC
ACGACCGTAGAAAGGCCGGGCGGGCGAGGCTGGGCGCTGGGCGGCTGCGGCGCGCGGTG
CGCGGTGCGTAGTCTGGAGCTATGGTGGTGGTGGCAGCCGCGCCGAACCCGGCCGACGGG
ACCCCTAAAGTTCTGCTTCTGTGCGGGCAGCCCGCTCCGCGCGGAGCCCCGGCCGGC
>EP73977 (+) Hs HGD; range -499 to 100.

TCTAAGTGAAATATCTCAGGCTCTGAATGGTTACCCAAAGAACCTGAGCTCATTCTGGG
AGGCACCTGCAGAAAAGTGGTTCTGGTCTGGTCCCTGTCTTACAGGTGGCTGTGTGTA
CATCTTACCCAGTGTACACATCTGCAGCTGGTAAATGCCTGGGGGTTTTCTCACTGCTC
TCCAGGAGAATCAGCACTGCCCTGTTCTTCTAGCCTGAGTCAGGACTGAGCAGAGAAT
CCTCCACCACACACAGCAGGCACTATCTGCCACAGTTCTTTCCCGATAGCTTCAAATT
TTCTGCCTTTTGAATAAGCCTACTTTTAACTGGAATAAATAATTGGTCAATTTTACCT

CAGGTGAAGAGGAACCAAGCCTCTGGAACACTTAGGAACAACTGTAAAAACCAAAGGC
AATTGTGTAAACCGTTAAATAAGCTTGCTGGACTTTGTCCTGTGTATGAGTTAGACAAT
TCTTTTCACTAGTTTGAAGTACGCACTGACCAAGTGAAGCGCAGTGAAGCAGTGGGAACCG
GAATATCCAAAGAGTGGTTTGAAGGAGAAAGAAGCATTGTGGCTTTATATCCTCTGGGCC
>EP73978 (+) Hs NUTF2; range -499 to 100.

AGCTGTGCGTTCCGCCCGGGTGGTTAAGGCCACACAGCTCGGAAGAGTAACAGCGGCAG
CCATAGCCCCAAGGGGAGGGGGTTTCGTGAGCGGAAACGGCCAGGGGCCAGGGAGGGG
CAGCTGGGCCAGCTTGGGGCCGGGTGGGTCCCACGGAGGCGGGGCCAACCCCCACCCC
AGTGCACAGACTGGGCGGGGCGAGCCAGCTGAGACCAGGAGACAACAGCCCTGACCC
TAGCCTGGCGCCAACCTCTAGTGTTCCAGAGGCTTCCGCTAGACCACAATTCTCAGGGGC
TTGCCCCGGCAGCCTCCCTCCCTGGCTTAGCCTCACCTCCCGCGCTGCGGGCCGTGTCTG
GGCCTCCGCGCATAGCACGCCGGGAATTGTAGTTTTCTCTCGGCGCGCTCATGCCGAAA
GGGGGGGGCGGTGGGACTGCGTCTCCAGAGTGCAGCGGGGCGGGCGAAGGAAGGCAGGGG
GGAAGGGACAGTCGGCCGAGACCGCGCTGGGTGCGCTGCCGCTGCCGCCATCGTGCC
AGCCCCCTCGGTGAGTGTGCGGGCCAGCACGCCGGGGCGGGGGCTGGGCCGAGGAGCCG
>EP73979 (+) Hs MRPL43; range -499 to 100.

TAGTTAGTTTCTCTCCGCCACTCACCTCTATGACCCTCTATACAGTTCTCTACTGACAC
AGTTTCTTTGTCATCATCTTCTCACCTCTACTGCTCCTCCACAGCATCTCTCGTCGTCTCT
CATTTCTATAGTCATCTGCATCCTTTTTGTAGTCCCTTTGCCCTAGGCCCCGACTAGAGA
CCCTCTTCCGCTTCTCCTTCCCTCACTGGGACCTCAACACGGCGAGAGCACCCAGCACG
ACTCCCGCCAATCCCCGGGCCAAAGGAATGCCAGTCTCTATCCTCCCCCGTGTCTTAC
TCCGCTCTACTACTCGAGCTCCGCGCGCGGGCCCCAGCCCCAGGTTACCACTTTTCT
CTCTCCACTTCGCGGCAACGTGAGTCTCCGCGCATGCTACTCGCCTTGACCTCGGAA
GCAAACTCCGGGAGCGGTGTCGCGGAACCGGAAGCCTCGAGGTTTAGTCCCGCCCCC
TCTCTCGCTGCTTAGGCTCCGCGGCTCCAAGCTGTAGCTATGACGGCGCGCGGGACTC
CGAGCCGCTTCTTGCCAGCGTCTCCACAACGAGCTGGGTGCTATGTGCAGCAGCTGC
>EP73980 (+) Hs MPHOSPH6; range -499 to 100.

GCTGCTGTGAGGAAAGCAGCAACTCGTGGGGTCTGGTGAAGAGAAAACGACCTGGACCC
TGCAAAGCGACCCAGAACAAGGGAGCCCGCCACCCACGTTATGAAGACAAAACACGTGG
GTAACACGGCCAGGCGGGTGGCAGGCGTGGCGGAAACCTCTCTGAGGCTGGCGAGGACT
ACTGAGTGTGGAGGGGGTCCCTGAGGAAGGGAGTCCCGAGGGAGGATGGGCCTCCGAGG
GGGCCAGGCCGACGTCCCGGAAGGCGACCCGCGGCTCGGGGAAGCCAAGTTCTGGGTGCG
TCCTCTGACTTCGGCTTTTTTGGCGGTGCGCGCTCATCCCCGCGCCGCCACCCGCG
AGCTTACCCGAGCCTCTCAGTCAGCAGAGCGCCCGCTGAGTGCCCGCGCCGCGCGCAAG
ACACAGGGGAGGGGCGGGGCGGGGCGGCGGCGCACTACGCGAGGGACGCAGCTGCGCACGC
GGCTCCGCGCATGTGCGGTGAGGCTCGCGGCCGAGTGCGGCGTGGGCGGAAGCTACCA
TGGCGGCCGAGCGAAAGACAAGGTTGTCCAAGAATCTACTGCGCATGAAGGTGCGGGGAC
>EP73981 (+) Hs MRPL11; range -499 to 100.

CTTGGCCTCCCAAAGTGTGGGATTACAGGCGTAAGTTACCGTGCCCAGCTCAGGGTCTA
CACTCAACCGTACTGCCTTTCAACAGCATGTGAGGAACAGAGAGAGAGAGACTTCCATT
ACCAATCAGGAGCTCCAGGTGATTTCAAACCTAGGATTATCACCGTGTGCAGCAGATG
GCGCCCTGGCGCATAGCAATTGGCCGGACCTGCACACGGAGTCAAACTACCATACCCAC
AATGCTATGGGGTATCAAGGTCCACCCCTACTGGTTAGCTGTCCGAGGTAGTGCCTGTGC
GCGTTCTGTGGGAATGTGTACCTAGGCCATTGCGGCCCTTCTTTATCTGCATAAAA
CAAGTTAAAAAGTGTTTTATCCTCCTCTCATCCTCTTGTCTTACTAGTTGGCGAGCAAT
AGGGTTGAAACAAGGCTGCTGTTTGTGGCCTCACCTGCCCTAGCCTAACGTGAGGACCC
TTGACCTCTGGCCCAAGATGGTGGCGGCCAGAGCTTCGCTCTTGTGCTCCCCTGAGGTG
AACTGAAGCCAGCAGCCCCGATCATGTCAAAGCTCGGCCGGGCGCCCGGGGCTCAGG
>EP73982 (+) Hs MTAP; range -499 to 100.

CAGGAAGGACAAATCTTGCCCCGCGCGCGGCGGCCCGCCGCGTTAGCTGCCTAAGAGAA
TCTCCGTGGCCGGCCAGTACCCGCTTGGTGAGGATTCTCCCTCCCGCGAGAATTCTGG
AATGCCGCGGGGCCAGATTTTGAGCTGAGGCCTCCGACGCCACTAATATTGGGCCAAGC
AGGGAGTGCTGCTTCTCTTATAAGGTTTTAGCGAAAGTTAAGTAAGCCAATTAAGTGC
AAAACACACAGTCTGGAACAATACAGCGCTCTATAAATGGTCTCCATTATTATCATTATC
CGTTAGTTATAACTGGGGATAAAAAAAAAAAAAAACGACAAAAACCTGGAGAACCGGAA
AGGTCTGCAAAAGGGGCGGAACGCGGGAACCTCGATTTGGGGAAGGGGTGGCGGGGGAGA
TCCACACAAGCAGCCAATCCAGCTGTCCCGGGGAGGAAGAGGAGGTCAAGGCCCGCC
CCTGGTCTCCGCACTGCTACTCCCGCGCAGTGAGGTTGGCACAGCCACCGCTCTGTGGC
TCGCTTGGTTCCCTTAGTCCCGAGCGCTCGCCCACTGCAGATTCTTTCCCGTGCAGACA
>EP73983 (+) Hs STK16; range -499 to 100.

CAGCTAGCATGTATTAACACTCAATTTAGAACTGGAAGTCTGGTTCAAGCCTGAGC
TCTTAACCACTGAGACTAGGGGTAGTGGGATACAGGCCAGAGCCAGAGGTTGTACGGG
ATCAGGAGACCAGGCCACCAGACCCGCCCTCACTGGATCCCCCTCAGGCTGCAGTGTA
GTTGGCCGCTTCTGCCCCAGAGCGCCAGAGGTATGAAGCCTCCTACCTCCAACATTGGG
AGATGGAGGTCTGGGGGCTCGGGCCGAGCCCGGCTTGTCTCCCTTTGGCGTAGGTGC

CTGCGTCTTGACCCCCACCGAAGGCCAAGTAGAGAACCCTCACCAGGGTCCTGGGACCCG
TCCACCCCTACACCTAGCTAGCCCGGAGCCTCTCAGCTCCGCGTCCCCACATCCTCCGGA
TGCCACAGCGTTGTGAGATACCGCGGGCGTTACGCCGCGCGGACTGATGATGTCAGC
ACTGCTTCCGGTCGGTGGCGCTTCTCTCTGGCCCCAGCCAGGTGAGTCCGGCAGTGCAGA
TGGCCCATCCCGGGCTCTGGGCTCTAGACCGGGGTGGGCCCTGCCAGGAGTGGGCCTGA
>EP73984 (+) Hs CD37; range -499 to 100.

GAGGGAGAGACTCTGCTGAGATAAGGGGACAGAGATGGGGAGTAGCAGGAAGGTGGGGAC
AAAGACCCAGAGAGGAGGAACAAGAGACCCAGGGCAGGAAATGGGAGACACAGCTGGATG
CAGAGATGGGAGAGCTTAGCAGGCCATGAGGTGAGAGTGTCTGTGAGGTGAGTGTCTGT
CAGGGTCAGCCCTGAGGTCCCATGCCAGAGGTGGGTTCAGTAGATCAGGGGTCCCTT
TAGATCCCCCAGCGCTGAGACATGGAGACCTGGGAGGGACTGCCCATGAGTCCTTGGT
GCCCAAAATTTCAAGGCCCTCAGGTACCAGAGCATGTGTCCAGTGGAGCAGGTGAGG
GAGACAGGGACAGAGAGAGAGACAGAAAGCCACCTTACATGAAGCGGGAGTGGGTGGAGC
CCCACCCCTGGAACCTCTCTTTTGGGGTTCTTCTTTCTCTCTCAGCTCTCCGTCTCTC
TTTCTCTCTCAGCCTCTTTCTTTCTCCCTGTCTCCCCACTGTCTCAGCACCTCTTCTGTG
GGTGAGTGGACCGCTTACCCCACTAGGTGAAGATGTCTCAGCCAGGAGAGCTGCCTCAGCC
>EP73985 (+) Hs CDC23; range -499 to 100.

ACAAAGAGGAAAAATCCTCCACATGGGGGATACATCCTCCTATTTTAAAGGAAGAATCCA
GAGGCTACCATGCATCTTTCCTAGCATATACATCACTTTGTATTATCTGGTACAGAGTC
GGCCCTGAAACTACACCTTTCTATTTTTCATCCAATCACATCACCCGTGAAAGGCACTC
TCCCTTCTCCACCTTTCTTGCCCTACTCCACCCCTAGCTTCCAGTTTACTTTTCCC
AGTCACTCATTTCCCTCTTCCCCGCCCCGCCAGAGGTGCTGGCTTCTCCCTCGCCCCGC
CTATTTTCTAATTTTCCGCTCAGTAGCTCTTGCCATTTGGGGATGTAGTTGTTTCTT
TTCCCCCGCTCTTCTGTGACGTTTCAGAAATAAGACCTATGATTGGTTTTTCCGGAGCAA
GAGCCGGCCAATGACAGGCAGATATTTTGGTGCAGATGGGCAGCCAGTATTATCGCCGA
TGATTGGCTGGAGTGGCCGAGTCGGGAAATGGCTGCGAGTACCTCCATGGTCCCGGTG
GCTGTGACGGCGGAGTGGCGCTGTCTGTCCATAAACAGCGATTTCTCAGATTGCGG
>EP73986 (+) Hs CKMT1; range -499 to 100.

GGTGTCTTTCCAGTGCCTGCCTCTAACCTGTGCTTTCTCCATATCCTCCTCTGGTATC
TGTGTTTATTCGCGGTTTCCCCGCGGTGCCCGGGAGACCGAAGAGGTGGCTGGGGC
AGGCCGAAAGCAGAGGAAAGTTGGGCAGTGTCACTTGCACACCCACAGGGTAGACGG
ATCGAGTTTCAGCTTAAACCGAGGGGTGTGGGGGAAGGGTGTGGGTTACAGTAGTCCAC
GTGGGTGCTGTCTCCACTTGGTGTGAAATCTGGGCGGCCACATCCCCGGGGCGGGAGG
GGGCTACATCCCCGGCTTTAGACGCGAGTCTCAGGTCCCGCTAATTACCTGGCGGGTG
CTGCCCCACCCCTGCCCTCGCGCACCTAGCGCGGTGGCAGCGGGAAGGCGGGGCTGGGG
GAGCCCCACCCCTGGAGACTGCGGCTGGGGCTCCTCTCCTCCGCCCCCGCTGCCA
CTAGCTCATTGCGCCTCTCTGCAGTCTGATTGGCACCGGCTCCATTCCGGCTCCAGCC
TCCAATCCGACCCCATTTCCGGCTGCAGCCTCGGACCTAGCTCCGGCCCTCGGTCTATCC
>EP73987 (+) Hs MLANA; range -499 to 100.

TTGTATTAAGAACTGTTTCTTATCTGAAGTTCAAATTTAACTGGGCATCCTCCTC
AGCTGAGCTCCATGAGTTCTCTGTGATGCCTTTGGTGTAACTGTCCACTGGAGATAGTG
GGTTTCCATCTATGTGAAAGGGATAGATGAAATTTCTTTTGCAGGTAGAATATGACCT
ACTTAGACATCAATTAGGTTGGTGCAAAAGTAATTGTGGTGTGCGACCATGAATTTAAA
TCATTATAACTAGGCTCATGTATATTTATGTGACATGGCAATCCTATGGAGGAGGGAC
CAACATTTAAATAAATGGCTTCCCTAGGATAGAGCACTGGGACTGGGGAAAACAGAGGC
CACAGTCAGCTGTGACTTTTTGAAGGAAGGAATAAAGTTGGTTTCTTTCATGCCAATTA
GCAATTACAGACGACCCGCTCAGAAATCTAAACCCGTGACTATCATGGGACTCAAAACCA
GGAAAAAAAATAAGTCAAAACGATTAAGAGCCAGAGAAGCAGTCTTATACACGCGGCCA
GCCAGCAGACAGAGGACTCTATTAAGGAAGGTAAGAGCGTTGCTTCTCGCCATAATCA
>EP73988 (+) Hs APEX2; range -499 to 100.

ACTCTTACTGCTCCCTCCTCAACCATGAACCTTCCCTTTGCCAGTCCAACGCGAGCACT
TAGCGCCAGCTATTCTGGGGCGCAAGCGCTGCAGCCATCTGTGAACCTAGGTGGGCGGT
CCGCCGCACTGAGGGCGGGGCTTTGGCAGCTGAGCAGTTCCGCTCAGGGTTCCGTGCTT
AAAAAGTGGCAAAATGCCGTTTGAAGTAACCGGACGCACCACTTGGACTTCTGAGTAGA
GGAAAAACGCATTGAGACTCAGCTGTCCGAGCGGAAGGAGCGGGAGCCCACTGGAACT
CCTCTCGCCATTATTGCCCTAGGCTTCCGCTTTGCTTCTTTCAGCGTCCACCCAGTTC
CTCTCCCGCCAATGAGAGCTGAGGAAGTTGAAGCCCCCGCCGACGTGCGTCAGGCGCT
TTAGTGGTACGCACGAGAACCCTGCGCAACGCGCGCGGAGGCGGGCTGGCCAACCTT
CTGAACAGGAAGCAGTTTGGCTCGCGCCTAGGTTGGCGCGGGCTGGGAGGTGTTCCAGCCC
TTTAAGATGTTGCGCGTGGTGAAGTCAATGGGATTTCGGAGACCCCTGCAAGGG
>EP73989 (+) Hs ARL2; range -499 to 100.

GCACCGCCGCCCTGAACTGAGAGCCACCGGAGCGGGTAGGGGGAGGCCCACTTTCCGC
TCTGTGAGAGGATGATGCCGAGGGCCAGATGAGCAGGATTTGAGTGTGTTGCTGGGAA
CGGGGGCCTACACTGGCCCCAGGATGAGTTCGTCCGTACCTGGGGGCCCTGGGTTCTGAC
TCTCAGGTGAGACGAGCCAAGATGCAACTCAGGAACCTCAAGGTTTCCGCTCCGGCCAA

GAGCCCCAGTCCGGCAGGGGAAAGGGTGGGGGAGTCGCCCTTGCTCCCCAGCCTCAGCC
CTCGGGAGGCGCAGCGTCAGGGCGGGCGGACACAGAAACCCCCGCCGCTAGAGGG
ACCCTCGCAGCAGCTGCGCGGGCGACCTCGCGGTACGTGCGGCAAGGGCGGGACCAAAC
GAGCGTCCGGCCAATCGACTATGCCGTGCGGAGCGTGATAGCCAACAGGAACGGGAGC
GGGGTCCCGGGACTGGGAAGAAACGGCGGCCGGGAGGGGGCTCCGGGGACCATGGGGCTC
CTGACCATTCTGAAGAAGATGAAGCAGAAAGAGCGGGAGCTGCGACTGCTCATGCTGTAT
>EP73990 (+) Hs HFL3; range -499 to 100.

CAGCCTCCCAAGTAGCTGGGACTACAGGCACCTACCACCACGCCAGCTAATTTTTGTAT
TTTCAGTAGAGATGGGGTTTACCATTGTTAGCCAGGATGGTCTGAAGTTACCTCATTCTT
AATACCAGTTTTAAGTGAATTTATAACTAGAACAGTGATGCTGTTATGTTAAGATGAGG
ACTGATCACCTTCACTTGCTTGCTACTGATGTAGCTGAACTCTTGGCTAGAAAAAAGAA
GGGGCTTCTCTTTCTCTTCAATGGCCCATTTCTGAATATTTCAAACCTCAGAGACTCAG
GGACCACAACAAGGAAATTGAACAGCTTTTATTTTGCTCAAGTTAATATTACATGATAAA
CTCAGAGTATTATTGTGAAAAACTGATTAGACACTATTTGCTTATTTGCACAACCCCTC
CATGAACCTTTGATGTTTACCACAAAGGACTTTACTAACTAGCTTCCAGTTAGTACACTG
AAATTCAAAGTCATGCTCATAACTGTTAATGAAAGCAGATTCAAAGCAACACCACCACCA
CTGAAGTATTTTTAGTTATATAAGATTGGAACCTACCAAGCATGTGGCTCCTGGTCAGTG
>EP73991 (+) Hs MRPS31; range -499 to 100.

CATAAAGCTATTTTTGAAAAATGAAACCTATGTCTCATTTTGACTCTACATCAAAAAATAA
AGACTGAAAGGAAACGCTAATTCATAGGGCAGCAGGTCTTTAGTAATTTTTTTTAAACC
TCTTTGGTGGCCATGGCGCATTTTGAGAACGTGGTGAACGCTGTAGACCCTTCCCCTCCA
AACATCGCAAAATATTGTCTGTTAAAGAAGAGACTGATCTCACTGGCACCATCTGTAGTT
TTTGCACAACCTGGTCACGCCCTCCACTGTCGGGTTCCGCCGTCTGGGACCCGCTCGGCC
AGCGAACCTTTGCTGAACTCTGGCGAGGACTCCGCCCTTAGGACTACAATCGCGGGGTGG
GTCGGGTGCTTGGAGGCAACTGGCTCCGCCCGGCCGCGGGCGAGTCCGGAACACAGTTA
CCCGCCCCCTGTAGCCACCGGAGCGCAAAGGGGGAGGAAGGCGCCAGGCCGGAAGCGGAA
GAGAGGGCGGGGACGTGTTTGGCAGCGGGACGCACCATTTTCAAGTTGTGTTCTTGGTTCAT
TTCGTGTCTCGGCGATGTTTCTAGAGTCTCGACGTTCTACCTCTTCGCCCCCTTTCCC
>EP73992 (+) Hs MTHFD2; range -499 to 100.

CAGTAGCTGGTACTGTAGTCACGCGCCACCATGTACTGATTTTGAAAAATGGTGATTTTC
TAACTCCATCATTCCTTTTACTTCTGTTGTTGGCATTCTATCAGCTTGCTTTTCATCC
ACCCTTTACAGTGCTTGGCACACAGTAGGCGCTCATATAATTGTTCAACGAATGAATGAA
TGAACCTTTCTCTTGTGTTGTCGGCTTCCGGTGACACTAGCGGCGTCAGGCAGGAGTTT
GACTTCTCAGCCTATCATGGTCACGTTGCCGAGGCTTACGCGCTTACAGGACCTCGCTC
CAGGCTCTTCTGGCTCCAATCAAAAGCAGGGCTCTTTCGGACTTCGCTTACGTTTAATAA
AGAAAACCGTTGGCCCCCTTCGGCTCCACCTGGCTCAACAGACAGCCAGTGGCATGCGGC
AGGGACCAATGGGTGGCGGAGGGAGGGGGGCTGCCACGAGGCGCAGTATAACCGCGT
GGCCCGCGCGCGCTTCCCTCCCGGCGCAGTACCGGCGCGGTCTATGGCTGCGACTTC
TCTAATGTCTGCTTTGGCTGCCCGGCTGCTGCAGCCCGCGCACAGCTGCTCCCTTCGCCT
>EP73993 (+) Hs HRB2; range -499 to 100.

AAAGTACTGAAACAAAGTAGTCTCACAATAAATAGTAGCTATTCCTGTCACTTGTGTCAG
TGAGGGCCCAATATACATTGTATTCTCATATTTGTACTTCTCCCAACATCTAGCGCATA
TTTGGCCAACATATAAATATTATCGAAAGAAATGAATGACATCAATGACAGGTTGGTAGC
ACTCCGCTGTCCGATGGTCCAGGTTAGGCCGTGAGGCCACGAGGAACTACGGATAAAAC
AGTATCCAATTTGCCTATACCGCTGTAACTACAAGTCCAGTACGCAAACTCCATGG
TTTCAGGGCATACTGGGAGAAAGTCTCCGGCTCTTCATTGGCCACGTAGGAGAAGCTGTG
GTTTGTGTAAGAGCGCGGGCTTAACGCACGTACGCACGGAGACTGCGCAGATCTCCTCGT
CTGAGTTCGCGGAACCTCATTTTGAGTGTAGGCGTTTTAGCCGGTAGGGTTTAAGAACAG
TTTCATTTCCGGAGCCACCGAAGCAGCTTGCAAATGGCGTCTCCCTCGCTGGAGCGGCC
AGAAAAAGGCGTGGAAAAAGTGAATTTCTGAACAGAAAGCCGAAGCCGAGAACCAAGG
>EP73994 (+) Hs WBSR22; range -499 to 100.

CTGCCCAGCACCGTAGGCTGGGAGATGCGCGTGAAGCGCTCGGCGGCCTCCGCGCTC
CCGGAGTTGCGGTCCGGTGGTAGAGAAAGCACTGACGGTAGTAAGCCGCCTTGATTTGG
GCCTGCGTGGCTGTGGAGGGGACGCCGAGCAGATCATACAGCGCGTGCGCGAATACGAG
CAGTCGCCCTGGGAATAAGTCTCGCTCCTAGGCCAGGCTGGGTGCAGAATTTTGTGGA
AAGCCACGGGCTGCAGCAACCTCCAAGTTAACAGCCGCTGCCACCATCGCCAGCGCATG
GCTGCCATGTTGAATTGATTCGGCAGGCGGTGCAAGAGAAACGGCCAATGAGAGGAGTC
GGTTGGTTCGCCCTGTGGCCAGTCACGTAAAGGGGGGGGGCGGGGCGTCTGGGGGTGGAA
CATGCGTATTACTAAGCGGTGCGCGGGCTGATGACATAAAAAACGGGTGCCGGCAGGCGC
CAGTCGAGGTGTGCTGCTGAGGCGTGAGAATGGCGTCCCGCGGCCGCGTCCGGAGCAT
GGCGGACCCCAAGAGCTGGTAAGTCCCGGGGCCCGGGACACCCCTCTCCCCACTTCTGC
>EP73995 (+) Hs EIF1AY; range -499 to 100.

CAAAAATTAGACGGGCAGATCGCGCCCTGCACTCCAGCATGGGCAACAAGAGCGAAACT
TCGTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGAGAAAAGTGATAAACATTCTGAACATAGAGG
GCCTTGTCTAAGCCAGTCTCCAAATTCAGTGTATAAGAGTAAGGGCTCTTTAAAAAT

TAGGCGTTTACAGTTAAATGACCCACGAACTTCTGAACTGGAAGACCGTTTTTTAGCAA
AGGAGAATACTCCAGGGCCCCGCCATTTTCATCCTTGACTCCACCTTCTCCATGCTGAGT
CCCCCCCCGCTTCTGTTTATTCATCCTGCAGCAAACCTCTCCGGTATCCTGATGGAGTCT
ACTAGGTGTCACTCATTTGGCCGTGCCTCAGCCGAAGAGAGGCGGGGAAAAGCATCGTAA
TCAGCTGCGTCGCTTTTGGTGACGCCAGAGAGTGCGCGTCAGCAGTTTATTAGAGAGCT
CTGTAGCCAGCCTCTTCTGCGCACCCACCTGCTGCATCTTAGTTTCAGTCGGCTCTTAGAG
TAGTAACCGCCAGAAAGGAGTCGGAAGAGGTCTCACGAGGCTGTCATCACCGCCATGCCC
>EP73996 (+) Hs EHD1; range -499 to 100.

GAGAGGAGGAGGTGCCCGCCCTGGGGGTACTCCGATGCTTCCGGGGATTCCGAGCCAGC
TGGAGGACCGCACGTGGCGAACGGCGGGCGCGCGTAGTCAGGGAACAGGGTGCCCTG
ACTGGGTGTCTCGTGAGCCATCCCCGCGGGGTGTGGGGGGGCCACGGTGCCGGAAGGCG
CGCGGCCAGAGGCCGTCTCCGCCGAACGCCCGCTCCTCGCCTTCTAACCAGCAGCACTT
TCGCGAGCCTCCCTACGAGGGGCGGGGCGAAACAGGTGCGGTGCCACGGCACCCGGACC
ACAGCCTCGCGAGATTTGGAATCAGCCAATGGGGGCGGGGTAGGGGAAGACGTGGCACCA
GTCGGAGGGGCGGGGCTGGGAGGGGCTCCTCCCTACCGCCCCCAATTCCGCCCTGCCCC
GCCGCGGCGCGCTAGCCGCCACTGAGGGACCGACCTATAAAGGCCGCTCCGCGAGGGG
TGCGCAGCATTCGGCAGAGGGCGCTTCGACGGGCTGGGCTGTGCGCCTGCGCAGTGTGGG
TCGCTCCCGATTCCCTGCCCGGCCCGGCCCTCGGCTCCGCGACCCTCGCCCCGCTCT
>EP73997 (+) Hs ZFPL1; range -499 to 100.

AAAAGTTAAGTGGTAGAGGAGGACTAGACCTTAGAGTCCAGAGAACAGGTTCTAGAGA
CAGCGAGAAGATTCCCAAACAAGCCCTTTAAGGGCGCCTCCTCCGGCGGCGGCAGCGGG
AGGGAAGAGGCCATCTTTCACCGGACTGCGTCCCCCAAACGGCTCGACCTCACGTCTCCC
GCGCGCCCTCCGCTCACCGGAGCGCTGAGCGGCTCCTCCGACCGCGTTTGCCTCCCAGA
CATAACTTAGGCTCCGTCTCGAGCTCCTCCAGCGCCGCCCGCCCGGGCGCGGCCAACCG
GGAAGGCCACTCGCTGCAAAAAACGTTTCAATTACCCGCCCTGCGGGAAGGAAGCGGAA
GTGACGTAGGGCTAGCGGTCTGCGGCCCTCGGAACCCCGAGTCTTTTCCACCCGTCTTCA
CCTCTAGCGGCAGCGGAGGCGTGGCCAGGGGCGCGATGGCGTCATCAGCGCGCGCCGCA
CCCGGAAGAGACGTGGCAGCGGAGGGATAATCGGGGCGGCCGGGGCTGAAGGGAGAGGCG
CAGGAGCCCTGGGGAGAGTGGTCCCTGCCCTTCCGCGCTCGAGCCATCGCTACCGCCCT
>EP73998 (+) Hs TAF7; range -499 to 100.

AACAAACAAACAAACATATATATAGAGAGAGACTTATATAGTAAGCTGCATGTCCTCTC
ACTCCATTGATTTGGGTACTTTGAAATCCATTGTATAGTAGCTACACATTCTTGATTGG
CACCAGATAGGCTAGACTCTAGGGAACATCCGAGATGTTTCCAGAAGCAAAGACGCTTAC
TGCAAGGCGTCCCCCTCTCCGGAATCACCCGGAAGTCTAGAAGCCATCCGGCCCCACA
GCGATCCCGTAAAGTGCTGGCTTAGCGGGGACGAATCTGTGTCTTTCTTGAACTTCC
AAGCTCTAAATAGTTTGAAACCAACAGCTCTTCCGAAACACTGTATTTCATCCCGGAA
AAACAAGTTCTCGGAAAAGATGAGTTTACGCTGGGCAGCGTAATTGCGCTATTGCGCC
TGCGCTAGCTGGGGCTCCGCCCTTCCGCCCGAGGGGCTGTCACTCACAGCCGCTCCCG
CCCCGCGTCGCGACGTAGCACTTCCGTTTTTGTGCTGGGTAGGCGACCCGACGAGGGCCG
GCGAGGTGCGGGGTCTGGTGATGCGAGCTGCGCCTCTCGGCAAGATTTGCGCTGCCCAT
>EP73999 (+) Hs STK25 P1; range -499 to 100.

GGCTTCGCGATGTGGCCAGCGCGGGCTTATCTCCGTGCCGTGACGACAAGGCTAGAAGCC
TGGGCGGCCGCGGTGGATCCTCGTGCGAGGCGGGGAGGGCGCCGGGCTCACTGGCCCCG
CTCGAACCAGGGCTGCGCAGGGCAGAGCCCAAGGGAGAGGGCCGCGCGCCGCGCTAACG
TCGGAGACGACGCTGGCAGGCGCCAGCAAACGCAGAAGACCCGCGAGGGCGAGGCAGGG
AGGGCGCGACGCGACAACGACCACGTGCCCCGCCCGCCAGGCGCGCGGCTGCCGGGAG
ACGCACTCAAACCTTTCCGGAGCAGGACTAGGGGTCCAGAGAGCCTCGCGGCGCGCAT
GCGAGCCCCGGCCCCCTCTCGCGCAGCTGCCGGGACTTGAGTCCAACGCCAGCAGGCT
TCCGGGCCCGGAGTGGGCGTGGGACTCGGGGTCCAGAGAGCCGTGCGCGGGCCGCGAC
GCCGAGCACCCCTCGCCGTGCGCTCCGGGCTTTCTCCGGTCTGCTGCCGCCACCACGT
TGCTTCGCGGGCTGGGAGGCCCGGGTCCCCGGGCGAACAGAGGCTGCGGGTGGGAGCCT
>EP74001 (+) Hs STK25 P2; range -499 to 100.

GAAGCCTGGGCGGCCGCGGTGGATCCTCGTGCGAGGCGGGGAGGGCGCCGGGCTCACT
GGCCCGCTCGAACCAGGGCTGCGCAGGGCAGAGCCCAAGGGAGAGGGCCGCGCGGCCGCC
GTAACGTGCGAGACGACGCTGGCAGGCGCCAGCAAACGCAGAAGACCCGCGAGGGCGAG
GCAGGGAGGGGCGGACGCGACAACGACCACGTGCCCCGCCCGCCAGGCGCGCGGCTGC
CGGGAGACGCACTCAAACCTTTCCGGAGCAGGACTAGGGGTCCAGAGAGCCTCGCGGC
GCGCATGCGAGCCCCGGCCCCCTCTCGCGCAGCCTGCCGGGACTTGAGTCCAACGCCAG
CAGGCTTCCGGGCCCCGAGTGGGCGGTGGGACTCGGGGTCCAGAGAGCCGTGCGCGGGC
CGCGACGCCGAGCACCGCCCTCGCCGTGCGCTCCGGGCTTTCTCCGGTCTGCTGCCGCCAC
CACCGTTGCTTCGCGGGCTGGGAGGCCCGGGGTCCCCGGGCGAACAGAGGCTGCGGGTGG
GAGCCTTCGCGGGCGCTGCAGAGCGGGCCGGGGAGGCCGGGATGGAGCCCCGCGGAGGT
>EP74002 (+) Hs STK25 P3+; range -499 to 100.

AGACGCACTCAAACCTTTCCGGAGCAGGACTAGGGGTCCAGAGAGCCTCGCGGCGCGC
ATGCGAGCCCCGGCCCCCTCTCGCGCAGCCTGCCGGGACTTGAGTCCAACGCCAGCAGG

CTTCCGGGCCCGAGTGGGCGGTGGGACTCGGGTCCCAGAGAGCCGTGCGCGGGCCGCG
ACGCCGAGCACCGCCTCGCGTTCGCTCCGGGCTTTCTCCGGTCGCTGCCGCCACCACC
GTTGCTTCGCGGGCTGGGAGGCCCGGGTCCCCGGGCGAACAGAGGCTGCGGGTGGGAGC
CTTCGCGGGCGCTGCAGAGCGGGCCGGGGAGGCCGGATGGAGCCCCGCGGAGGTGGGC
GCGCTGCCGGGCGGGGCGCTTTCGCGGATTGGGGAGGGGCGAGGGAGGGGCCCGGGC
GGGGCTCGGTGGCGGGACACCGGGCGGGGACCGGGAGGAAGCTGCCTTGAAGAGG
TGGGGGCGGCGACGGGAGGGGCGGCGAGCCCCGGGAGCCTGGGCGTTAGGCCCGGGCGT
GGCGGGGCCCGCGGCTGGGGGTCTCTGGGCCCCCCCCACCCATGGAGCCCCGCC
>EP74003 (+) Hs PRPF18; range -499 to 100.

CCAAGATTGGTAAGCAATCTAAAACAGAGGAGTGAAGATAAATTGACTTCCAACTGCT
TAAATGGTTGTAGTCGTTTAAAGTTCACAGGAAATTTAACAGGCTAGTAATGAACAGACA
GCCCTTTCACTCTATTGTTACAAGTTAGTATTATTGTTTAGATTTTTCTCATCTTTTGC
AAATTTTGCAAGCAAGTAACCTCAGAAACCTAATGTAAATTTCCAGTTAATAAAGATCT
TGATTTAACTGGCATTATTGAGGTGTTCTTCGAGAGGCTTTTGAAGTCAACTAGCAGGT
GCAGAGAGTACTACAAAGACCCGGGTTTCCGTCCACGTTACGTAAACCTCCCTACGAGG
GGAAACTACAGGCGCGCTGCCGGAGGGCGCCGAGTGGGCACTCACGCACAGCTGCTTT
GGCCACCACAGGCGCCCGGGCCACTCTCTCCCTCATCTCTCATCCAGCTTCCGCC
GGAAGCGGCTCCTGTGTCAGTTGTTCTCAGGTGTTTGGGCTTGTTGTTCCGTATACTCAGTG
GGTTCGCGGCCCGCGCCAGTGAGGCTGGGTTTCAGGAGCTGGAGCGGGAACTGGAGC
>EP74004 (+) Hs PFKL; range -499 to 100.

GTGAGGGAGGAGGGAGGAAAGGAGGGAGGGAGGGAGGAGTGTGGCTGCTTTCCGCC
AGCGCCTCGTTTGGGTTTCGCTCTGCTGAGGCCTGAAGCGCCCTGAGGGCCCTGGGGG
GCAGGGAGGGGCGGTGGCTGCGGCCGACAGCAAGGAACCTCCGAGAAGCGAAGCCGGGC
CAGACGTGCCACCGGGCCTCGCGCTGGCGAAGGGGCGCGTGCGGCCGCACTGGGGCCA
GCCCGCCCTGTTCCCGCCACATCTCGAGACCACCGGGGTGGAGGGGGGGTCTCAC
TGCTCAGGGCCCGCGTGACATTGCACAGGTTAGAAACGCACAGCGGGAAGGTGGCCCCG
GCGGGCCGAGGGCGCAGGATCCCTGCTCCGTCCAGGGTCCGTCTGCGAGGAGGCGCCGG
GGGCGGGCCCGGGCGGGGCGGGAAGGCGCGCGGGGCGGGGCGGGGACGGCGACG
CGGCGCAGGCGGCGGAGTGCGAGCTGGGCCCCGTGTTTCGGCCGCCGCATGGCCGCGGT
GGACCTGGAGAAGCTGCGGGCGTGGGCGCGGGCAAGGCCATCGGCGTCTGACCAGCGG
>EP74005 (+) Hs HAGH; range -499 to 100.

GCGCATCTCCCTGACGTGGTCCGCGTAGTTCCTCCCCACGCAGACGATGTTCTTTCCCA
TCCCCAGAAGCGGGACAATGGCCTGGATGCTGCCATGATTCCCATCAAGTGCCCCTGTAG
TCACGTGGGCTGGGCGCGGTACGTGATGCTACGGCATCCCGGAGAGGACCAACTGCCTC
GGAACGCTGTCCCCCGACGCGCGGCCGTTCACCTCGCGATCTGCCGGGTACCCGGGC
GGCGTGGCGCTCGGCCTCCAGGGATCCACTGTGCGGTGCCAAAAAGAGGCGGAGGCTCG
CGGCACAGCTCTCCCGGCGCAGCTCTCGGGCCGCCGCCGCTCCAGGCCCGTCTCCC
GGCCCGTGGCAGTGGGGCTCGCGGACAAAACAAGTTGAGCGCGAGCGCGTTGATTGGTT
GGCGGACGGTGCGAGGTGGACGCTGATTGGCTGAGGGCAGCGCGAGGCGGGCGCTGATTG
GCTGCGACGCGCCGACGCCGTGTTTTGAGTCTTGGGAGCTCGGCAGTCCAGCCCGGC
CCGGGTCATGGTGGTGGGCCGAGGGCTGCTCGGCCGCCGAGCCTCGCCGCGCTGGGAGC
>EP74006 (+) Hs GRHPR; range -499 to 100.

GGAGTCAACCCGAAGGCTTCTCACTCATACCTCTGGTCATTGACGGTGGCTGTGAGCCGG
GCCCTTGCTGTGCTGTTGGCCTGAACACCTACACGTGACCTCTCTGTGTGCTCTGGACT
TCCTCACAGCCTGGAACCTGGGTTTCTACCCTGGGCCAACCCAAGAGACAGAAAAAGTGG
GGGCTTTCACTCTTAAGGCTGAGCCTGTGGAACAGGACCTGAGCGTGTAGAAAAA
GCAGGGCTCCCATGAGGCCTTGACGGGATACTGCCCCCTCTCCCCGGGGCCCTGATTC
CCCAGTGGCACGAGGCGCACCCCCACACACACAAGGACACTGTGTAGGGTCACTGT
TACTGTCACTCCCCGAGCACGACAGTCAACGCTCAGCCGCAACCCGGCGCTCCCTCTCG
CGAAGCCACACCCCTCGCACGCGCGCGGACGTCTCTCCCGCCACTCCAGCCTGGC
CCCGCCCCGGCCAGCTACATTCCCGGGCCAGCTTCTGTACTGCCAGGTCCGGGTGCGCG
GCTGCACTGCGGATGAGACCGGTGCGACTCATGAAGGTGTTGTCACCCGAGGATACCC
>EP74007 (+) Hs PTPRCAP; range -499 to 100.

GACCTCTGAGGGACCATCTCCCCGACCACTGCCAGCCCTCTGCTCCCTCCCAGAGGAG
GCGGGAGGGTGGGCTCTATATTTTCATTCCAAATAAAATTCTTTCTAAAAGCCAGGCT
GACCTGCTGTGCAAGGGTGGGCTGAGAACTCTGGAACCTGGAGACAGAGGATGTCAC
AGGAGTCACACATGTGCAGAAAGTCTGGGGGCACTGAGCAGCCCCACAGGCATTGCTCCC
CTGGATTGTACAGCAGGGAACTGAGGCAGAAAGACCTGAGAACACATGAAGGCTGCATC
CAGCTTCAAGTTGGTGTGCTTCTTCTTGGAGGACAGGCCCGGAGCCAGCCTCCTCC
AGAGAGACTGGGGAGGGTCTGGTGTGGACAGGGGTCTGCAGCAGGGAGGGGAGGTGG
GGTATGTGGGACAGGAAGCGGAAGCCTGGGCCACCTTCACTGCAGACGAGCACTGAGCTC
ACTTCTCGCTCGACACAGCCAGAGCTGGAGGTGGGTGCCCGGCACGGAGGGGCTGCGGA
CCAATGGTAAGCCTCGGAGCCCCCGGGTCTTGGGATGGGGGCCACAGGCGGTGCGGGC
>EP74008 (+) Hs MRPS34; range -499 to 100.

CGGGTGGCCGACCGGGGAGTCTCCATTGCGCACAAACCCCGACTGGGAGGCGGGCCCG

GCCCCAGGCCCTCGGCACGCGCGCCCCGCCAGTCGGACAGAGGGCGCCGCCTGGCGGA
GAAAGGCCTTTCTACCCGAGTATCGCCCGTGCCCTCCGCCGACCTGTGTCCACGCAC
ACCGCGAGGGCGTTTCAGGACCTGCTCCGGCCGAGCAGCCGCAACGCCTCGGCAGCCGCC
CTGCGCTACCCGCTGGGTCCCGGGCTCTCGCGGCGGCCCTCCGAGCCGCGGAGTCCTCA
GCGTCGGAGTCTGAGATCTCCAGGTTGGAGGTGCGCGTGACCGCTCCCGCCCCGTCCC
CGGCCCCGGCCCTGGCAAGAGACCCCGCCCTCCCGGGTCAACCCGCGCCATGGCCGGA
CCGACCTCTTCTCGCTTCCGGCCGCGACCGAACACTTTAGCCTGGGACACCGGCCTCTT
CCGGTGACTTCCGGCCGAGCGCTGAGGACGCGGACCCGCCATGGCGCGGAAGAAGGTGC
GTCCGCGGCTGATCGCGGAGCTGGCCCCGCGCTGCGCGCCCTGCGGGAGCAACTGAACA
>EP74009 (+) Hs VAT1; range -499 to 100.

GCGCGATCTCGGCTCACCTCCGCCTCCCAGGCTCAAGCGATTCTCTGCCTCAGCCTCCC
AAGTAGCTGAGATTACAGGCGCGCGCCACTACCGCCCGGCTAACTTTTTATTTTAGTA
AAGACGGGGTTTACCATTGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGACCTCAAATGATCC
ACCAGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACC GCGCCAGGCCTAT
CCCTTAAATAGTTTTTAATTTGAATAAGGTTTACTATGAATAAATAAATCACAGTCGGC
TTGATCCCAAGAGCACAGACGTTCTTGGTGCCCTTTTCGTGCTCTCCAGCTTGCGCCA
CTATGGCCCTGGCCCTTAAAGGCTGAGCGCGAGGCCCGCCCTCGCCCGCGCCCCGCCCC
TCCCGCTGGATCCCGCAGCCGCGGCTCTTCCGACGCGTTCCGCCTTCCCAAGCTGTGCA
CTCTCCATCCAGCTGTGCGCTCTCGTCGGGAGTCCAGCCATGTCCGACGAGAGAGAGGT
AGCCGAGGCAGCGACCGGGGAAGACGCCTTTCGCGCCTCCGAAAACCGAGGCAGCGAG
>EP74010 (+) Hs SNRPD3; range -499 to 100.

TCTCTCCAAGTGTCTTTAGGGATAACCTGAGCGGGCAGCCGCTCTACTCTATACCTAA
CTTTATCCGTACCAGATACCTAGCCTCACTCAGGGCCCCCTTACCTGGCGGTGCCGGGA
TCAACAAATGAAATTGTGACGGGAAGTCTTGCCCTTGCCCAACCTCTGCTGTCCCCG
GTCTGAGGGCCCAAGCCCCGCTCTCCGCCTTGCCGTCCAGCCTGTCTTGGTGTGGGGT
GCTTGGAAGTGTGAGCACCTCTCTGGCTTTTGCCGGCCCCAAGGGTCGTTGCGGCGGC
CCCCGGGCCAGTCATCAGCCCTCTTTTCCGGTGCCGGAACCTATCGTACTGGTGCCCTAG
TTTCCAGCCGGCAGGCGGAGTGAGGAGGAAGCGGAGGCGAGACCGCGCTCAACACTGGG
GAAAGGAAGGAGGCGGGCCCTGCGCGCAGCATTTTGGGAAAGAGTGGAATTCTGGGTGTT
AGGCCCGCCATTGCTTGACTCACGCCTTCGCCGTAGCATCTTTCGACGCGGACCGAAGA
GAAGAAAAGTAGGCCAGAGCCGGTGAGGCTGGGGACGGGCGAGGGGAGGTCGAGGCGCCT
>EP74011 (+) Hs DCTN3; range -499 to 100.

CATAGGCTGCCTTGGGCGAGGGGCTTTTCAGAGGTTAAGGCAGAATAGCAAAGTTTCGTGA
GAATAGAAGAGTCCGTCTCTTGAATCAGACAGCCTGAGTTCAAGTCTGTTTCTGTCCC
TATAGTGCTGGGTGGCCTTGGGCAAGTTACTTAATCAACTGAACCTTAGAAGACTCCAAA
AGTTTATGGTAACTCACGGAGCCTCCTAATGATGTATCTATGGGAATGGACCTATCCTGG
AACACGTGCAAACCTCAGGGAATGGCGTGGGGAAAGCTCTTTGGTACCCGAAAAGCAAAGG
TTATCTTGACAACCAAGGCACTGGAAGCCAGGGGAGGGATGGGACAGAGCCGTTGCCAAGG
TAATCAGCTTTTGACAGCTCCGAGGAGTAACCTCCGGCACTGAAGGGCTGAATCATGGCG
TCACTTCTGCATAAAGGGCCGCTCGTGCACTCGGATTGGCTAGCCTTCTTATTTGGACT
GACGTCCCGCCCTCTGGCTGTTTCTGGCCGAGGTGGGTGGTAGTAGCGATGGCGGGTC
TGACTGACTTGACGCGGTACAGGCCGAGTGGAAGAGCTGGAGCGCTGGGTGTACGGGC
>EP74012 (+) Hs DAP3; range -499 to 100.

CACTCCCCCTCAGACCTGTCAAGCCGGCTCCAGCGCAGGCCCTCACGCGTACCTTCAGC
GGCGCGAGGCCAAGCCTTCTCCACCTCCTTCTCTCTCCCCCTCCCTCCCCGCCCGCA
CGGCCACCAACCGCCGCCAAAGCAGCCGCCGACACCCCACTACCTCCTCGCGC
GTGCGCTCCACAGTCCCCACCGCGGGACTGTTCCATTCTGGCGGTGCAGGGGCAGG
AGAGGAAGGGACCGGCAAAGCGAGTCTGGCTTGCCGTTTGACTGGAATTGCCAGGGTGGC
CGGCCGAGTCCCATGACAACCTACCTCCCTGGGTTCTGTCGCCGCGGCGCTGCGGCTCGCC
TCCTCCTCCATGGGACCGCGCGGAGGGGATCGAGGGCGGCTAGCGCCCTCTGCCGCGC
GGTGGTTGGAGGCCGCGGCGGCTGCGCGTTGAGTCGTTTCTGCCGGATGACCCGACCTT
TTTTTGAGTCTCAGGACGGGCGCTTTGGAGCCGGCCCCAGGCAGCGTGTGTGCGTCGCC
TAGTCTGGAGAACTAGTCCTCGACTCACGGTGAGGGAATGGACCGACAGGGTATTGTAC
>EP74013 (+) Hs VARS2; range -499 to 100.

AGTGCTGGGATTATAGGCGTGAGCCACTGCGCCGGCGTCACCTTTTTTCATACATGA
GGAGATGAGGCTCAAAGAGGAAGCTGGACGCCAGGGCTCGGCAAATGGACCTCCCCTTC
GGTCTCATCAGCGGCTCCCTGCTGGGCACCTCCCCGCTACCGGGTGGGGAACGCCCTC
CACCGGCAGGGCCGGCCGACCTCTTGGGCCAGTTCCCTAGCTGCCCGCTGGGCGCCGCC
CTCGCCACCCGGCCGAGGACCCGCACAAGGTGCCCGTGCGGCGCCTGACGGGAGCGTCG
TGCTCAGGGGTGCTCTCTGCTCTGCTGCCGCGCCAGCGCCCCGCGCCCCGCGTGTTC
CTCGTGAGACCGGCGGGCGGCGAGCGCGCGGCCCCGGGGCAGTGTCGGACACGGCGGG
CGCGCACTCGCAGGCGGGGACAGGCGCCCCCGCCAGGACCCGAGGCCCGGAAACGCTC
CCTGTCAAAAGGGGGGAACAGTGGGCGCCGGCTGCCGGGGCGGCGATCTTAGGGAAC
AGGGTCACCTGGAGAGCCGCCACCGTCTTGCCCGCTCGACTCTCCGCCCGGGCGCT
>EP74014 (+) Hs RBBP4; range -499 to 100.

GAGCTCTTGCAGCCTCCCCGCCCTCCCGCAACGCTCGACCCCAGGATTCCCCCGGCTCG
CCTGCCCCCATGGCCGACAAAGGAGGTGAGGGTGCCGGGGCCGACCCAGGAGGGCAGTG
GGTGCCTGGGCTGAGCCGCGCCTCGACATGGCCTAACAGTGAGGGCAGGCCGAGTTTG
CCGAGTGAGTCCCCGGTACTGAAGGCGTGAAGAGGGAACCTCCCCGCGGGGCTGCTAAC
GGCTCGCCAGTTCCCTGGGACCGATTTCGGTTCGAGCTGGCGAAGCCAGCGGTGGGGCCC
CCGGCCAGTGTTTGTTTCTTCTGCTCCGATATCGGTTTCTCGGCCTCTGTCCCGAG
CGTGGGGACACCGCTTCTACCCACAAGGCTCGGAGCTCGGGCCTCCTCGTGGGCTTGT
GAGTTTTCGGCGCGCAGAGCGTGCTCCGAAGGCTGGCTGGCCCCCTTGGCCTGGAACGGG
TAACGGAGTGTTTGGCGGGGATGGCCCCGAGGAGTTTCGGCGCCGCGAAAGTGAGAGTGT
GGATGCCTCTGCCGTGGGGATTTAGACAAATCACCTCCATTTTCATGGTTAGGCTGTAGGA
>EP74016 (+) Hs CDC37; range -499 to 100.

AGGGCCATACCACCCCGATTAGACACCCCCAGGGCAGGTCCAGTCTCCTCGGGCTGA
GAAAGTCCGAGGAGTCATCAGGCGCCCCCTCCAGCGCAGGCTTAGGTCCCCGTTTACGA
AGGGCAGGGGGAGGGCCTTCCCGCGTGTCCCTACCCCTTGACAGCTCACTGCGGCGTG
GCTGAGGGGACAGTCTCTCAGTCTCATCAACCGTCCCTCCCTGCCACCCCAAACGCC
ACCGTGGAGCGGCGGAGATGAGGGGGCTCGGAGTTGAAGCGCGCACTCATATGCCCC
AGGAGACTAGCGGAGCCCCAGCGCCGATGACGCGGAGTCTCTGCGGGAACCTCAGGGG
GCCGGAACACTTACGACAGGGCCCTTTAAGGCTGGCTGGGTAGCTAGTGCCGCTGCCGCG
TTACTAGGGATGTGACGTACACAGGGCGGGGTTTCCGCGCTCGGCGGAAGCGGAAGGG
GCGGGGCTCCGCGCTCCTAGTCTCCACTGTGCGCGCTGCGCGCCACCCGAGCCGGAGC
GGGCTGGGCGCAAGGCAAGATGGTGGACTACAGCGTGTGGGACCACATTGAGGTGTCT
>EP74017 (+) Hs PIN1; range -499 to 100.

AAGTACCTCCTGGACCGCCGTACCTCTGCACCAGCCAGACTCTTCCGCATGGGAGGGCT
GGGGGCTTGCGGACCTCCGGGAACAGCTCAGGCAGGCGGGAGTTGCTGCGGCATTAGCCA
ATCCATAAGCTCTATCCCGCTGGGTGGGCTCTGCGGCGACGCGGCCAAGAAGGGGTCG
GGAGTTTTTTGCGCTCGCTAAAGGGCGTTGAGAAGGGCGGGCCCGCTCGCTTCGGACC
ACTCAGGAGCCGAGGAGAGCGAGTGGGCGGGGCCAGGCTGAGGCTGGCCGGGGGCGGGG
GCAGGGATAACGTGGGAGGGTCCGCCAGCCTTTCTTCTACCCAATAGAAGGCCAGAAAG
CCAATCCGGACCGTTAGGGAGCCCAATGGGCGTCCGCCAGGCCCCGTTGCAGAGCGCG
TCTAGCCAATAGGCAGCGGCGGGCGGGCGCGGGCGACAGGCGGCGCAGCTGAGGCGG
AGCAGGCGCTGCGGCAGGAGGGAAGATGGCGGACGAGGAGAAGCTGCCGCCGGCTGGGA
GAAGCGCATGAGCCGAGCTCAGGTGCCGCGGGGCTCGGGGCTGGGGCGGGACTGCGCGG
>EP74018 (+) Hs AATF; range -499 to 100.

TGCGTATCCCTGACATAGGATTCCCAAATCCTGGCCGCTGAAGGGCGGGAGGCGTGCC
CGGCCTCAGACTACTATAAATTGCGAAATGACAAACCTGCTTTGGGTCCCAGTCTCTGCG
TGCCCCGAGTGCGCACCCGCGATTTCGAGCAGCTTAAGCCCTACTCCCTCCTTCCCAAA
TCAGCCACCGTGGGCCACGGCTACGCTATGCTTTATTCTAAGCGAATCTCGACAAATC
TCGAGGCATATTTGTACAAGGGGACACTGGCCGCGCGCATCGCAATCGCATCTCAGCGA
CAGAAGCGGTACGTGCCTTGGCGGCTTCCGCACCGCCCCCTTCCGCGCACTCGCACGC
GCACGCGCACACGCGCCCATACGGCTCCAATCCCTTCAACCTTCTGCGCGCTTCCGCTT
CATGCTAGCAACGCCCGCAGTGACGCGCAGGCCCCGCCCCCTCCGCGCGCTTCCGGAA
GTGCCCGGTCCAGAGCTGTGGGGTGGCCTCCGCGCGGTCTCTGGCGGAGTCGGGGAATCG
GATCAAGGCGAGAGGATCCGCGAGGGAAGGAGCTTCGGGGCCGGGGGTGGGCCGACAT
>EP74019 (+) Hs CALR; range -499 to 100.

GTGGGGTGCTGGTTCTCAAATGCAAGATAAGAGCTGGCTAAGAAAGCCTTGCCAGCCCC
TCCACCTAGAGGGAATGGGAGGGAGAGAAGCTGAGGGCAGGGTCCCGTCCCGCTGGAG
ACAGCTGCGCTCCCGCGTTTCTTTAAACGCCAGATGGGCAACGACGCGCGGACGAG
GGCGGGGTTGGGTTCAAGTCTGGTACATGACCTGGCTGAGGTGCTCGCGGCCCCACC
CCACCACTGGGCGTCCCCCAGCGGCTGGTTCGACCATATTGGTGGGTGGTGAAGCCAAT
AGAAATCGGCCATCTGGGAACCCAGCGTTCCGAGGCGCAGCCTAACATAGTGAACCGACG
AAGGTCCAATGGAAAAAGACGGCCATGGGCATAGACCAATGACAAAGTGGCAGGGGCGGG
CCCAAGGGCTGGGTGAGTTGGTTTGAAGGCGGGTGGGTATAAAAGTGAAGGCGGGCG
GCGGCGTCCGTCCGTAAGTGCAGAGCGCTGCCGAGGGTGGTTTAAAGGGCCGCGCGT
TGCCGCCCCCTCGGCCCGCCATGCTGCTATCCGTGCCGCTGCTGCTCGGCCTCCTCGGCC
>EP74020 (+) Hs CSNK2B; range -499 to 100.

AGGGAAACCTGTGGAATGCCGAGAAGCCGTGTAATGAAATAACGTACGCCTGCCCCCTCA
CCATTACTCTGACCAGGGTTCGAAGGTCACTTAGAGCCTAAGGGGAAATGGAGAAGTG
CAAAGGGACGAGCAGAATGGCTGGCACCACCTCAGGTTAGCGCACTGGGACGTTCCAGTT
CTCACACCGCCACCCACCCACCAAGTCCCTACGCACGGAGCCAAGCCGCACCTCTC
CCCTCATGAGGCAGGAGCCCGAGGAAACAGTATGCCCGTCAAGGGTCTCTGGCGGGACT
GATTTCGCACTAGGGGCCAACAGGCAATAAGGACCCAGCGGATTGGCCGAGGATAGGCCA
GTCCCCTGGGACGAGCGCGCGCGGGACTAGAGGGGAACGTGAGGAGAGCTGCGGAAA
GAGATCCAGCCTGGCTCCCTCCTTTCCCGCCCTAAGTCAGCCTCTTACCCAGTGAGCA
CAAACTGTATTGCCAGACTCCCGGGCCCCGAACGCCATACCTGGCTTCCGTTCCGGT
GGCTTCTCGTTGTGCCCGGCCGCAAGCGCCCTCTCCGGGCTTCGTGACAGCCAGGTC

>EP74021 (+) Hs CDK5; range -499 to 100.

TGAGGTCGTCAGAGAGGCCGTTGGGAACACAATGCCACCAACAGGTCAGCGCTGGGCGGC
CAGTGCCCGGGATCTAGGCCGCCAAACCCCAAACCCCTAACCGAGAGCGCTCCGCCCCCA
TTTCCGCTGCATTCTGGAACGCGTAGTCCCGGAGCGGCCCTTTTCAAGAGGGCTGGGAGC
ACATAAAAGGAATAACAACAGCGGGGCACACTGGGAACCACGGCGCCGCGGGGGCGCC
CGGAAAACGGACACGCGTTGCTTCTGGGACTTGAAGTCCAAGGTTTGCCTCCGCGGTAG
AAACGGAGCCCTGGAGTCAGTGCTGCAGAGAGCGTGAGCGCAGACGGCTGGGGGTTGTA
GTCTTCTTGCTCCTCGGTCTCGGGCATTGCGGGGAGACCTAGTCGTTTTAGGACTACAAGC
CCCAGAAGGCCCTGCGCGGGCAGACGGGGCGGGGCTGGAGGCTCAGGTGCCGCTCCTCT
GCAACGCCGGGGCCAGAGTCTTAAACCGAGGGGCCGAGGGGTCCCCCGGGCCGCCGCG
ATGCAGAAATACGAGAACTGGAAAAGATTGGGAAGGTAATGGAATCTCGAGATGTTCC

>EP74022 (+) Hs SFRS5; range -499 to 100.

GTTGAAAAAAGAACTCGAACATCTAGGAGCTCCCTGCTTTGAGGGCAAATTTAAATTGCA
AGCAGCAAGAGCTAAGGAAAGGCCAGGTATTTCTGCAAAGCTAAGTTTCTCCTAATTAGT
AATCTTCTGGGTGTCTAAGAAAACTTTAGATAACAAGAAGGGTTGCCACTTTTCTCAGGA
GACTCTTCTGGGAGAGATGATGATGAACCGAACGCCAAGGACTTAGCAGGGGCGAACGAC
GTCAACAGATGTCCTTCAGACTCCGGCACCAGCCGGCCGAGCCCAAACGAGTTTCTCGCC
CCCGACCCCACTCCCGCGGAGCAGGGTTTCGGTCACTCGCAGTGTCAGAGAGGCCACCA
TCCTCCTAAATTTCCGGCCCTCCCAAACTTCCGTCTTCCCTAGGTCCAACGGGGTGGAC
CCAAGGCCCAGGGGCGTCCCCGGAAGTGACGTAGGACGCGCCCTCCATTTTGAGAGCGC
CAGAGCTGCTAAGTGCGTCAGTTGTGGAGTGGCGTAGACGAGTTAAGTCTGGTCTGCGT
GGAGGTCGACGACTCCGTCGACACTACGGACCTGTCTGGGTCTCAGCCGCCAAAGACCC
>EP74023 (+) Hs LUC7L; range -499 to 100.

CCGGGGAGGTCGAGGCTGCAGTGAGCGGTAATCGCGCCACTGCATTCCAGCCTGGGCGAC
GGAGCAAGACCCTCGCTCTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATTCATGCTTTAT
TTAACTTTCACAAAAATCATATGAGGGGCACCTTTAGAACCTCATTTACAGATTTAAA
AAAACGAGCGTCGGGGAGCTAAATAATATGCTCACGGTTTCATGGCTAGCTTAGAAAAAG
CACGGATTATCTTGTTTTTGATTGACTGTATTTATTTATTGTAGTTTACCCTCCGTA
GAGACTCGTTTGAGGTCCTGGGGGTCTAGAGTAAATCAGGGTTGGGATTTTGGTCCGC
CGTTGGACAACCTTGCAGCACTCAGAGCCTCAGCCTCCCTAAGCACCCACCCAGAACT
ACATTTCCAGCAGGGCGTGCGCCGGCGCCGTCGTACTTCTCCGGCGTCCCCCGCGGC
GGGAAAGAGCCGAGTGGGTCGAGGCCGACGCGACCATCGTTTGTGACGCCGCTGCCAC
CGCTGCCTGAGAGAAGTCGTGCGGGCCGACCCGTCGCTCCGCCGGCTACCATGTCCG
>EP74024 (+) Hs BFAR; range -499 to 100.

TATGTTCAAGATCAGCCTGGAAAACGCAGCGAGACCCCATCTCTACGAAAAAAAAAATAT
TTTAATAGAAATAAAAGTCATTTAATTCCGATTCTTAACACCGTAAATTGAACGTATAGT
CCTGTGATTTTCTACATAAAATGTGAAGGCAAAAAATAACTGTAGAGAGTACGGTGCAGC
CTTGTAATATTTAATTTCTAGGCAAAGCTTGATCCTCCGGATACAAGAACAGCCGCCC
AGGAGGAGCGGAACTGACACACACCCGTCACCCCTTGGGCTGTGACTGCCGAGCCCGGG
TACTCGGTCTCTGGGTGAAGAGGAAGGGGCGGGACCGGCGGTATTACGCATGCGCCACT
TCCTCCGGCTGGGAGTGGCCGCTCTAGGCAGCGGGGAGGTGCGGGGTTGAGGGGGTTG
TGAAAGGAGAGCGGCCTCTCTCTATGGTCACGGGGCCGGGACGCTTCCCCCACTCTG
TCTTGTTACTTCCGGTAGCGAAGCCTCTCCCTCTTCTCTGCTCCCGCGGGGTCTGTGCT
GAGAATAATGGCCCGGTTGGCCCGGACGAGTGGAATGGTAAGCCGCGACACGGCTGGGG
>EP74025 (+) Hs SDHD; range -499 to 100.

GTCGCCCAAATCTTCCCTGTTTTACACCTTTTCTTTTCTCCACGCTACGCTTATATACCT
GGCACCTGAGCACTACCGGTACACAGGGACAGGAGAGCCATAACTTTGTCTTTCGTGAGG
GGAATGGGATGCAGCCGGGATCGAGCACCAAGTGAGCCGCCAGTGACAGACCTCCGAGCG
TGCCACAGACCAAGGAAGGTGAAACTTCTTTTCCCTTACCCTCCCGTCCCCGCGAC
CTGTGCAGTAAACTGCGCCTTCTGTCTGCTCGCGGCCACAGGCGCTGCAACTCCGCTTC
ATCGGCTTCGCCAGCTCCGCCATTGTTTCGCTCAGGCTCGCCACCTTCCGACAGCTGTG
TTTGCGCATGCGCGACGGGTGTGACCGCCTCTCGACTTCCGGTTCACCCAGCATTTCTCT
CTTCCCTGTTTTCTTCTGTCGTCGTGGGTGGGAATTGTCGCCTAAGTGTTCCGGGTGG
TGGATGACCTTGAGCCCTCAGGAACGAGATGGCGTTCTCTGGAGGCTGAGTGCCGTTTG
CGGTGCCCTAGGAGCCGAGGTGAGGGGTCTTCCACCCTGAGGTGCTTAGCGTAGCCTC
>EP74026 (+) Hs KYNU; range -499 to 100.

TTTATTACCTAGGAGTTTTTAAAACTCACATATTAGGCAATAGAGTGATTCTGGAATT
GAGAGCCTATTTTAAACTTTTGACTAAAAAGTTTACCCATTAAATGTCATAGATTCAACC
ATCAGACTGAAAATCCTCAGTGATTTGAAGGAGGGTATTGTCTCAAAAATCCAGAGCTC
AAAGTGAAGAAGAAAGGCAAAATTTGGAATTTAGCTCTAAGACCAACTCATCAGTTCAGG
GGTCAGAGATTTATATAGTTAAAGGACAAGTGTGTGTTTACCTGAGTTTAAAGAGCAAAG
TTGCCCTTGGAAGAAGCCCTCACTGGAGGCTCTGGCATTTGAAATGGTGGGCAGGAGCA
CATGTTGCTTAAATTTCTGACAGTGGCTGGAGATTACCGATTGGTTAGGGGAGAGGAAGT
AAAGTAAAATATTTATAAATTTCTCCACTGGGTGGAGTCTGAGCAGTTCTTTGAATTTCTC
ACCCTAAGATCTGGCCTGTACATTTTCAAGGAATTTTGAGAGGTTCTTGAGAGATTCT

GGGAGCCAAACACTCCATTGGGATCCTAGCTGGTAAGCTTGAGGCGCTGATAAAAACTCT
>EP74027 (+) Hs DLK1; range -499 to 100.

GTCGGGCTTTTCTGGGGTTTTCTGTGTGCGTGTGTAATTATGTGCTTAGTTCACATC
TTCATAGTGCCTTTGTGTTTTCTGGGTATCTAACCATTGCACGTGTGCCCGGACTT
CAGCGATAAGTGTTCGGTGTTCCTGCGTGCGGATTTGTGCTCTCCGGGGAGGTCTGCGG
CCCAGGTTTCGATTCTGCGACTTGTCTAGGCAGGCCTGTATGTGCGCGGCGGCCGCGTG
CTGTACAGTGTGAGGGAACGTGTACCAAACGCTCGCGGGATACCTGTGCCCGTCTAGCCA
AGAGTGCACCCGTGTGCGCGAGCGGGCTTCTGGGACGCCCGGTGGTGGGGGCGGCCCT
GCGAGGGGAGGGGTCACAGGACTGGCCGCGCGGCCCGCTGCGCACGGAGGCGGGGG
CGGGGGCGGGGGCCGCGAGGGGGAGGCGGTACGAAAAGGGCGGCGCGCGCGGGCGCGG
CGGCAGCTCCCCGGCAGCGCGGTGGAGAGCGCAGCGCGCAGCCCGGTGCAGCCCTGGCT
TTCCCTCGTGTGCGCGCCCGCGCCCCCTTTCGCGTCCGCAACCAGAAGCCAGTGCGGCG
>EP74028 (+) Hs UBE2L6; range -499 to 100.

TTGCTGGGGCAGGGGCTCAAGGCGGCAGTCCGATAGTGGAGGCCGCTGAGAACTGTCACG
GAGCTGCGTCTGTACAGCGAGCATCCCTTATTTATTCAGGGCGAGTGTGATTTGGGGCG
GCGTGCAGGGGGCTGACAAAGACCGGAGAGCTCCCGTGCGGCCGCCGCGGAGCGAAGA
CTGGAACCCGTATGAGCGCCCCCAGGCCCTGAGCGCTCGCCCGGTGCACGGCGCA
CCCCGCGGGAGGCGAGGATCAGCAAAGCCGTGCGCCCCGAGGCCCGCCCCGTCTCCGCA
CAAAGACCGTGAAGTCCCGGTCCGAGCCTTCCGCGCGGGGATCGGGCGTTGTCCGGCGG
GTCGTCTTCGACGGCCTCTGGCTCGCCGGAGCGGGTGCGGGGAGGCCACGCAGCGA
CGGCTGGAGGAGGGTGGGCGGGGCTGCCGGGGTGGGGTCCCCGGGGCGGGGCGGGGCG
CGCTGTGTGCGGGTGGAGCTCGGTCTGCTGGAGGCCACGGGTGCCACACACTCGGTC
CCGACATGATGGCGAGCATGCGAGTGGTGAAGGTAACCGCGTATAGGATGACCCCTTCT
>EP74029 (+) Hs ETF1; range -499 to 100.

TCAGTCAGATGGGTGACACAGACAAGTACTTAGGTTATTACAACCCATGTGACAATTGCT
ACCATGGGAAATACAGGGGAAATAGGGGCATATAGGAAAGGTATCTAATTGGAATTGG
CAAGGCTCCACTCGTACCTTACCCCGAGGTGAGTCAAGTTTGAAGTCACTCTAGCAGT
GCTGACCATTCGCGGGCTGTGAGACAGTACAGTCTGAGCTCGGTCTCAGCGGTGGCCA
GCTTTGTCTCTGCCGTCCGCGGGCCGGGCTTACTCGAAGGTCCCCGGGGAATAGCCTCA
CCTTTGCCCCACTTCCAGTCTAGCCCCTAACCTCCCGCGTCTATTGGCTGCGCAGCCG
CCCAATGGGCAGGCGGAAACCGCGGGCTCGTGCTCCCGGCTAGGGCGTCTTATCTCGTT
CGCGGTCTCGCGAGCATTAGGTGACTGGTGAGGCGGCCAGTTGGCCGGGCACGGGG
CTGCTGTAAGGCCGAGGTTGCGGCGGAAGCGGAGACCATGTTCCGAGCGCGGCTCCGGG
GCAAGTCCGGCGGGCGGTGAGTCCGGACTGGGAAGGCGAACCAGGGACGGCCCCCGTC
>EP74030 (+) Hs EIF2B2; range -499 to 100.

AGAACAAAGTGAGACGTCTGCCAAGGGGAGCCGACCCTGGACATGCATTGAGAGCGT
CAGTGTGAGTGTGACACTCGGGAGTGACAGCTCGGGCAGTCAACGAGTGGGAAGACAGGA
GGGAGTGCCGCAACTTCTTCAAGTGTAGCCTTAAGTGCAGGTGAGGGGCGCGTAGAGACTT
GCTGCTCCCATAGCAACGGGACAGCCACCCTCTACAGGCTGACGGGTACTTCCGTTT
ACCGTCCGCTGAGCCAAGAAAGGCCGCTTCCGATCTCCAGCCCCGAGGCGCGGGGGCG
CGCGGACGCCCGGTTATACTGAACAACCCGAGCCCCACGTCTCTGATTGGCTCAGGCAG
AGGAAGGGGGCGGGAGATCGGCAACGAAGGCGTAGCCGCTTCCACTCAAACCTGAGGT
TTCCCCCATCCCTCACAGCGGAAGCCGACCTCGCCCGCCCCGGAAGTGAAACTGTGT
GGTCTGGCAGGTGTGGATTCCGCCGTGAAGGCTGAAGGCAGTACCTTAAAGATGCCGG
GATCCGACGCAAGGGCTCGGAGTTGTGAGAGAGGATCGAGAGCTTCGTGGAGACCTGA
>EP74031 (+) Hs GOT2; range -499 to 100.

GTAGTGAGCCGAAATCACGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAACTCCATCT
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGTGGGGGATAAGGAAACATTGAGGAACGACGTGAC
ATGACTTGTGCTTAGGGAACATATTAGGTTGAAAGTAAGGCCACCTTGGGTCTAATGG
CTGTAAGGCATCAGACAAAATACGTCAACTATGTACGCTACATTTTCTCATCTTTCAA
CTGCCATAACAGCAGCCACCTCTTCGGCCGGCCAGGCCTGGCCAGCTGGATTAAATGAA
TGAAGCGCAGCAAGGGCTGGGCGTAGGTAACTGTGAGTCACTCTTCCACGACCTCC
GCTGAGCCACGCCGTCCGCCCGCGGCCGAGGATCGCTGTGAGTGGCTCGGGCC
CAGCACGCGGCCGTCTGGCCAGGGAAGTCCCTGTCCTTACCTTACAGAGGAGCCGGTT
CCCTGTGTGTGTCCGCTCGCCCTGTCTCCGTCTGCGGCTGCCACTGCCCTCCTAC
GGTCCACCATGGCCTGTGCACTCCGGCCGCGTCTCCCGGGATCGCCGCCGCTTCC
>EP74032 (+) Hs MSN; range -499 to 100.

CAACAGGGGATCTGTGTGGCCTCAGGGAGCAGAACTGAGATCCATGGATGGAAGCCATAG
AGAAAAGGAGTTGAGACACGGCAAGAACTTTCTAAGAGCCAGAGCTGTCTAGAGAAGGAA
AAGATAGGTAGTGAGTCCCCATCAGTGGAAAGTTGCAGTCAAGGGGCTGAGTAAGCATCT
GTCAGGGCCAGGGTCTGGGCCCTGAGTGGGGTGGGGTGGAAAGGCCAGGACGTGGAAG
GCTAGGGGCTGTGACAGGGTGGGAGAGGAGCCGGTGGGTCTGGGTGGGGAGTGGTAGC
TACCCTAGGTCCGCCGGGGCCAGCCGGGGCCCCACGTGGCCGTGTGGCTGGCTGCG
CCGGGCTTGGCCAGGCGGGGCTGGGCGGGGCAAGGCCAGCGTTCGGCGGGGAGGCGGGCG
CGAGGGCGGGGAGCGGCGCGGAAGCCGGGCCACATAAAGGAGCGGGCGCGCAGAGGGG

CGGCTCTTTCTGGGTGGGGTTTGTGAAGTCGTGGCCCGTTAGCAGGAAGCCTAACAGTC
GCCCCGACGCTAGTGAGGGACCAATCTGAGTCCCCGGCCAGCCGAATCCAAGCCGTGTG
>EP74033 (+) Hs HADH2; range -499 to 100.

TCTGGTTCGCTCCATTCGTCTGTGTCTGTAATTCTCTTTCTCCACCTGGACTGTG
CCCTCCTGGAAGGCATGAATCTTTTATTATTCCGCTGGGTATCCCAGGTGCCCCGCACAC
CGTCTAGCATATAGGAGTCTCAAATACATTCACTTGAATTAAGACTTTTTTCAGAGGAG
AAAGGCATCCGTTCTCAATATCCACCCCTCTCCCCACGCGGAGCAGGCCACTTGCCAA
AAGGCCAGCTAGAGAGTAGGGCGAGGGGTGTTGTGGTATTGTACTTCTGCTATTGGTCTC
TTTCCCCAGTTGAAATAACTCTGGGGATACCTTAGCAGGCGGAATCCGCCCTCTGGCCAA
AGGACTAGCGTACCAGGCCACGCCCCACGTCTCATGCGCAGCGGCAGACGCCCCGGCC
CGTCGCATCCGCCCCCTTCGCGCGCTTCGCCTCGGCCAATCAACGAGCGCCCGCGCCCCA
TCCCCATCCCGTGGAGTGGCCGGCGACAAGATGGCAGCAGCGTGTGCGAGCGTGAAGGTA
GAAGGTTCTTTGCTCTGTTGCTTGCCTTCCTTTACGGGCCGGGACAGCGCGCCGTGGA
>EP74034 (+) Hs SKP1A; range -499 to 100.

CAGGAATGAACACACACACCCGCGCGCGCACATACACCTCAGGAATGAACACACGCGCT
ACACACACACGACGCCCCCCCCAGGAGTGAACACACACACACACGCCCCGTTCTGTTGTT
CCCAGGAACACACACAGAGACGCACACTCGCCCGGTTTTGTTTTTCCAGGCTTTTTA
ACTGGGGTCTTTCACTCGGCTTAGGGCACCGCTGCCTGAAAGACCTTTCTAGGCCAGTCG
GGGTCCGGCACCCAGTTGACGAGACAGCGCGGCGCTTTCAGAGCTGGGGAGAGGCGAAAA
CTCTTCCGGCCCCCGATCCCCGGCCAGCGCCCCCGGCAGCTCCTTGCCGCTCCCGG
CCTGGGCCGCCAGCCGTTCTCGGCTGCCGTAGGCGATCTCGGCGGCCAGCCAGCC
GCGATGTGACGCGCGCGCCCCGGGGTCTCGGCGCCTGCGCCCTCTCTATAAAGCAGA
CGCCGCGCGCGCTGCGACGCTGTAGTGGCTTCGTCTTCGGTTTTTCTCTTCTTCGCTA
ACGCTCCCGGCTCTCGTCAGCCTCCCGCGGCGCTCTCTTAACACCGAACACCGTGAG
>EP74035 (+) Hs PPP2R5C; range -499 to 100.

GTGTAATATTTGCTTAACCATTTGTTAAAAAATAACAAAAAATACTGGGTTGC
CAGAATCCTACCTAAGATGCAGATATTAATTAGAAGTCAAGTTGCACAGGTG
GGTATAAAATGAATTTGGGATCCCTCACTGGGAAATGCTAAAGTTCACACAGACATATAC
ACACACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTGGCTCCCTCGAAATCATTTGTTTAC
AGTCTGGCCAAGGTTGTGGCTCCAGTATCCCCCTAAGAGATGGGATCTTTGCCTAAAA
GTTACTGAGAAACGAAGGCTGCAAAAAGCCGAAAATATCCCAGCTTTTAAGGCACACTG
ACAGCCAAACAGAACGCTCTTCCGTTTGCACTTTTTTAGTGTCAATTTAAGTTGCAGC
TTCCGGCCAATCAGCGAGCTCATCGCTGACATCACGAACAGCCAGTTCCTCCAG
CTGCAGAGAGCTTCAGTTGTCTTTTTTTTTTAACTAAAATGGAGGCTGGTTTCTTGC
CTTAAGGAGCCATTGCCTTTCCCGCTGAAGTCTAGATGTTGACATGTAATAAAGCGGGC
>EP74036 (+) Hs IMPA1; range -499 to 100.

ACCCACACAATTGCTTGAAGCATAGTAAGTCCTCAATAAATAGTATGTAAGTAAATTAT
CAAGAATTGGGCAGTTGGTTCTGTTATCAGTTTATTTTTTTTTTAATCTAGTATAGGTTT
ACCAGCTTTAGGTTAGCACCTAAAAGCTGCATAATCGGAATCATATCTGCAATCTGGGTT
TTGTCAAAATAGTACTATAGAATAAATGGGAGAAAGAAGAAAGCAAGCTAAATGGGAAAC
CGTGAATGAATGGAGGACGAAAGAAGAAAAAGGCAAAGTAAAGAGAGAAGTAATGTTTAA
AACTGAGAGATGAAAAGACAAAGCAGGAGAAAAGAACCAGAAGCTAGAATGAAGAGGCAG
TATCCCATGCTCCAGCGCGGGTCAGGACCCGGCCCGGCTGGCAGAGGCTCGCAGGGCGC
AGCTCGGGGCGGGGCCAGCAAGCAACCACGCCCCCTCAGGAATGGAGTTTTTAAGGGC
GGAATTCTCTGTTGCGAGTAGCCCTCTACCTCCGGAAGAGACGAGTGCAGTAACACCGT
TCACAGAGCTAGCCGACGTCTCCGACTCAAGGTGAGACCGTTATTTTCTCACCGCAC
>EP74037 (+) Hs AK2; range -499 to 100.

TCGGGCTTTTGGGCTAAGTGTGCAATTAACAACCTTTGTTACAGCAATCTTTACTCATAT
CCTTGATTTTATCCATTGAATTCGTGGAAGTGAATTGCTGGACCAAAGGGTATTTGAAA
CATATTACTAATTTGTCTTCTAAGAGTGATTTTACCCATTTAACTCCACGCGCAATTT
AATAGGATTTCAATGTTGTTGCTGTTGCTCAACTGTCAAATGCCGAAGTATACCTTCC
GGCCTGACCTCTGTCTCTCTTCGCTTTTCCCGCCACTCCGCACACCCGCCACCCTTA
GTACATGCTGGCCCGCCCTTCTTATCCCGCACCAATTCTGTCCAATCAAAAGCAAAGT
TCCTCAGTATCGCCGTGCAGTTGGTAAGGTGAAGAGTCCGTGCTGCTCAGGGGCGGGCGG
AACGGGCTGACGGACGCGGCTATGGGCCAGTGTGAGCGGCGAGTGGGACGTGCGTGGCGT
GCGTGCCTTGACCTGGGAAGCACTGGACCTGTGAGGCGTGCGAACTGGTGGCAGTGAGAG
ACTTCGGCGGACATGGCTCCAGCGTGCCAGCGGCAGAACCCGAGTATCTAAAGGCATC
>EP74038 (+) Hs NUP88; range -499 to 100.

TGGAGGCGCGCACAGACCCCTGGGAGGTGTAATTTCCGGGTGCAGACCGCAATGGATCG
CAGCGTATTCTGGGAAGTGTGTTTTATCGACCGGCCACGTTGGAGACAGATTTAGGCA
TCCAAGCGAAATGCGTGAGGCCAGCCCGACCTGCACTGAGGGAGGTAAGTCTTGAGGGAA
AGTTCTGGATGCTGGGTTTACCCAGATGGAGGTGTCCAATAGGCAATTAGATACACAAG
TCTCAGGCTCTCCCAAGGTGCTAGATTTCCAGCAGCACCACTTATGTTGACTTCTCGT
CCCGCCCCCTTGGGCTTCAGAAATAATGGTGATTGGCTTTCCCTTGGTGACGCCCCGTCT
TGGTGGGCTGGCCTCGCTTCGCCCCCGACCTGGCACGAGCCTCTCGAGCTTCCGGGCC

GTCTGCTCGGTGATTGGCCGAAACAGTGAGTGGACGGCCGCGGATTGGCTGTGCTCAGCG
GCGGGCTGAGCAACTGGAGTGAGGGGAGCAGTTGGGCCAAGATGGCGGCCGCGAGGGAC
CGGTGGGCGACGGCGAGCTGTGGCAGACCTGGCTTCTAACACGTCGTGTTCTTGCGGC
>EP74039 (+) Hs PTBP1; range -499 to 100.

ACATGGAGCCCTGAGGGTTTCTGCCGACTCCAAGATGGCGATGCGACTCCCTTTGCC
TCACGGCCCAGCGGGCGGGTCTGCCACTTGCAAGATGGCGGCAGCCTGGGCAAAGCA
CGCTTCCCGCCGCTGACTCGCCACGTACCACTCTCAAGATGGCGTCTCCGCAAAGCC
ACGCGCCAGCTGACTGGCTCAGACGCCGTACGTGATCCATTTTCTCCCCCTCCCCGA
CTACACAAGCCGTTTCCGCCCTTCGGCCTTGAGGAATAACCGCTCCCCAATAGGCGCCT
GCGATTTCTCTGGGTCCCGCCCCGGGCGGCTTCTGGCCAGTGGGAGGTGCTGGCGGGG
GCCCGCGGGGCTCTCCCCGCCCTGGCTGCAGCGGGAGCCAATGGGAGCGCGCGCGGG
GGACGTGTGCGGGCGTCTCCGCCATTTTGTGAGTCTATAACTCGGAGCCGTTGGGTGCGT
TCCTGCTATTCGGCGCCTCCACTCCGTCCCCCGGGTCTGCTCTGTGTGCCATGGACG
GGTGAGTCGCACGTGCCCCGCGCCCCACGCCCTCCCCGCGCCGAGCCCTGCCCCCGC
>EP74040 (+) Hs VAMP8; range -499 to 100.

CATTTTGTTCCTGTAGCTAGGCCTGGCATGGTTGATCTCAGTCTCTAGAACTGGAG
TCAGATATTCAAGACATTAACAAGATGGCTGGTGGGGCATCATGGCTCCTAGGACTTT
GGGAGGTTGAGGTGGGAGGATCGCTGAGCCAGGAGTTTGAGACCAGCCTGGGCAACAT
GGTGAGAATCGTCTCTATTTAAAAAAGGCTGCCCTTTCTAGA
TCAGGAGGTCCAGCCTCTGGAACCTCGGAGGGCTGCTTGATCTTTCTTTCTAATTCCT
GACAAGTTAGAAGACCTTTGGCTTCTGAGAACCCTATTACTTTAAGTTTAAGCTCTTGTT
TGGAAGCCACTGGGAGGACAGTGAAGAATGCCGCCTACCTGGGAAACCTGAGTTAGG
TGTGGCTGGAGCGACTCGAGATGCGAGGTGGGCGGGGCGAGGCTGAAAGTTGGAGCAAGC
AGGAAGTGAAGTGAAGGGCCACCTGGGAGGAAGCCGACTAGGCGAATTCACTTACTGACC
GGCCTGGGCTGCTCTGAGACATGGTGAGCCAACTGGGAAGTGGGAAAGGCTGGTTAAA
>EP74041 (+) Hs NOC4; range -499 to 100.

GGTCCGACGCCCTGCGAGACCGGGTAAGATGGACCGGGCACTTCGGGGCGGCCCCCGA
GCCTGGAGCCACCGAGCCCGAGTCCCCACGGGCGGCCTCAATGTCACCTGGCTCCGAG
GCCCATTCGGTGCTTCTGCTGAAGCCGAGCGGCCAGGCTGCGGACGTGCAGACTTGATG
GCTCCCGCCCCCGACCCGGCCCGGCTGGCGGCGCCGACCGGCCACCTCCTGTCTCA
CCTGCCGCACTGCCCGCCGCGACCGCCCTCTACACCGGTGTCCCGCGACCGGAAGAGA
GCAAGGCCGCGCCGCGGAGCACACGGGATCGAGGAAGACTCCGCCCGACCCGGCCGCA
CGGAGGTACCGTGGAGCGGAAAGGGTAGCGCTGCGAACGCTGTAATAATGCCGGGCGG
GCTGCTTTCGGCAGGCGTTGGAGAGGCTGCTTTCGGCGCGCGGGCGAGAAGCGCGA
CTGGAGTCTGGGCTGCGGCTTCCAGAGGCGCGAGTCGCTTTTCCAGGAGCCGAGGCCC
AAACGGGGCGGGCCTGAAGGGTCCCCGCCAGCCGCGGCCGCGCCATCAATCGCCGCC
>EP74042 (+) Hs SNRPA P1; range -499 to 100.

GGAGTGGGGCGGGTTTTTCTACCTAGGCGGGAACCAAATATCGTTTTGATTGGCAACA
GCTGAGCCCAGAAACGAGACTTGCTCTGATTGGTCAAGCTACTGCGTTTCCGCGCGCGA
TTGGCTGGCAGAAAGGCAGAGGCGGGGCCAGGAGAGAAAGCTTTGTGGTTTGGTCTCAGG
GAAGTAGCAGGCGCCGTTGAGAGAATACGGCCCTGTGCGAAGGTAACCTCCGGTGCAA
ACGACCATCGGCGGCGAGGCGAGCGGTACGCTTGCGCTCCGGGCTTCTGGGCCCCGTG
AGGAAACTTGCTGCTCGAGGCCAGGCTGCTAGGACCTGTCCCTTTTTTCTATACTGGCT
CCCACATCCGGGTTTTTCTCCGGGACGGCCCTTCGGATGCTTGGGCAATGGGAATCGC
CATTTAGGGTGCTCCGCCACCGGGTCGCGTAGAGCATCCTGGAAGTCGTAGTAAATCTC
TCGAGAGTTCTCTCCGACGCGGGCTGGAGAAGCGGGTCTACGCACGCTTTGTTGTGCG
GCTTTGCTCCGCTTGCCTTACTCCCGCTTACCTGACTTCCTTTTCGGAGGAAGAT
>EP74043 (+) Hs SNRPA P2+; range -499 to 100.

GACTTGCTCTGATTGGTCAAGCTACTGCGTTTCCGCGCGCGGATTGGCTGGCAGAAAGGC
AGAGGCGGGGCCAGGAGAGAAAGCTTTGTGGTTTGGTCTCAGGGAAGTAGCAGGCGCCGG
TTGAGAGAACTACGGCCCTGTGGAAGGTAACCTCCGGTGCAAACGACCATCGGCGGCAG
GCGAGCGGTACGCTTGGCGTCCGGGCTTCTGGGCCGTCTGAGGAACTTGCTGCTCG
AGGCCAGGCTGCTAGGACCTGTCCCTTTTTTCTATACTGGCTCCACATCCGGGTTTTT
TCTCCGGGACGGCCTTCGGATGCTTGGGCAATGGGAATCGCCATTTAGGGTGCTCCGC
CCACCGGGTCGCGTAGAGCATCCTGGAAGTCGTAGTAAATCTCTCGAGAGTTCTCTCCGC
ACGCGGGCTGGAGAAGCGGGTCTACGCACGCTTTGTTGTGCGCTTTGCCTCCGTCTT
GCCCTACTCCCGCTTACCTGACTTCCTTTTCGGAGGAAGATCCTTGAGCAGCCGACGT
TGGGACAAAGGATTTGGAGAAACCCAGGGCTAAAGTCACGTTTTTCTCTTTAAGACTT
>EP74046 (+) Hs UQCRC2; range -499 to 100.

GCCCTGTTTCACGGAGCTAAAGATCCAGTAAGGACTTCACCCAGCGAGAGGCAACTACG
CCGGGCTTCGATACCAATACCTCTGCAGAAAGGTGGAGTGGCAGGAATCTCCTGAAGCC
TCCAACGTCCAGGAACGCGGAAACCCAGGGCTCCAGTGCAGGTGTCATCCCGAGGGCG
CATGCGGAGTCCAAGAGAGGCGCGTCCCATTTGGACAATGCTGAGCGGAAGAGCCCAAGA
TAGCGGGGGAGTTGTGACAGGCTGCTGCAGACGTACTTAGAAAAGGGGTGCATACTGGA
TATTACGGCTAGGAGAAGAACGCAAAAAGCAGTGACGTACATTATTCTGCATATATT

ACTTGGGAAATTGTGCGTCTCCCTATTCTGAGTCTTGGAGGAATTGGACTGGTCCAACCT
TATAAAGAGAGCAGTAGAGCGCGCAGTATAGAGAGTACCTCACGAAGGGGACGTGGGAA
AGTGTTAGCGGGGAACGCTGGGAAACTCCCGGCTCCGCCACCATCTTGCTTTCTTTAA
TCCGGCAGTGACCGTGTGTGAGAACAATCTTGAATCATGAAGCTACTAACCAGAGCCGGC
>EP74047 (+) Hs RAC1; range -499 to 100.

CCTGCCTCAGCCTCTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCCACCACCACGCCCCGTTAATT
TTTTGTATTTTTATTAGAGACAGTGTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTGT
GACCTCAGGTGATCCGCCCCCTCAGCCTCCCAAAGTGTGGGATTACGGACGTGAGCCA
CCGCGCCGAGCTGACAGGTTCTCTTAAAGCCCTGAGTCCAGGGAAGGGACCTGCAGGC
CCGGCCACGCCCAGGCCGCTTAGCGCGCCAAGATGGCGCTGCCACGCCCCGCGGCCGG
AGCCGAGTGGGCCCCGAGCGCTTCCGAGCATTCCCCGAAGTCCAGAGAACTCCGGGAGCGG
CGCGGGCGGGAGCGGCGCGGGCGGGAGCGGCCCGCCCGGAACCTGGGAGCGGCGGCC
GGCGCGGGGGAGGGGAGGCCGGATGTGAGTGGAGCGGCCATTTCTGTTTCTCTGAGTT
TTCCTCAGCTTTGGGTGGTGGCGCTGCCGGGCATCGGCTTCCAGTCCGCGGAGGGCGAG
GCGGCGTGGACAGCGGCCCGGCACCCAGCGCCCCGCGCCCGCAAGCCGCGCGCCCGTC
>EP74048 (+) Hs NIPSNAP1; range -499 to 100.

AGACCATCTGGCTAACACGGTGAAACCCCGTTTCTACTAAAAATACAAAAAATTAGCTG
GGCGTGGTGGCAGACGCTGTAGTTCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCG
TGAACCCAGGAGGCGGAGCTTGACAGTGGGCGGAGATCGCGCCACTGCGCTCCAGCCTGGG
CGACAGAGCGAGACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACCTTGGTATTA
TTGTTCCACGCTCCCATTTTACCGAGGTGGATCCTGAGGCCAGAGTGGGCAAAGGGCTT
GCCAAGGTGCGAGAGCGCGCAGAGGATTAGAACCCTGACTTCCGTCCAGCACCTGCGGAG
TTGGAGACGCCCACAGGAACGCCACCTGACCGGGTGAAGTGAAGGGGCGGGCGAGCCGG
AGGGGTGGAGTTTATTCGCGCCCCGCTCCGCCACCAGGGCTTGGGGGCGGGGCTTCCT
GCAACCTTTGCGGCTCCAACATGGCTCCGCGGCTGTGCAGCATCTCTGTGACGGCGCGC
GGCTGCTGGGGGGCCCGGGGCTCGCGCTGGGGACGTTGCGTCTGAGCTGCGGCGCGGT
>EP74049 (+) Hs EIF4A2; range -499 to 100.

GTCTTCATTGTGGAATTAACAGCGGTGGGAGCAAGCGGAATAACCGAGTTCCCTCCCG
CACCTGAGTGCCGGCAGCGAGCCGCGAGCCGGGACCTGTACCCGCGGGAAGCCCCGGCC
GCCCAGCAACAGCATCTCCGGTTTCCGCTCCGGCTCCGGCGCGGCTCCCCGGCCCCGC
CTCTGCGTCAGGGACGCGGAAACCCCGTAGGAGCAGGGCGGGCGGGGAAAGCGAGGTTA
ACTAAGTCCGAGCTATATTCTTCCGCCGAGGTAAGAGTCCCAACCAACCCCGGGC
CCTAGGATTTCCAGCGACCTGTAATATCGAGAAATTACACATTTGGGTTTTTCTACCA
ACTTGCTTAGGATTTTATCCGAGGTAACGACCCAGGATCACAATTTTGTAGCTGACCGA
AGCACGGCGAGAAAATTCCTCCGCAAGAAACGGGTTCGGCCACGAGCCTATAAAAAACG
GGTGGTTGGGCGCGCTGTCTTTTCACTCGGGCGCTGAGTGGTTTTTTCGGATCATGTCTG
GTGGCTCCGCGGATTATAACAGGTATGCAGTCTGTTGGCGGTGCGGCTGTAGTGAAGG
>EP74050 (+) Hs EDF1; range -499 to 100.

CCCCACGCTGCGTTTGGGGCCCCACGGCCCTGGTCTCGAGCGCAGGTCCCAGCCGCGCA
GGCGGCAAAACAAAGGGGGGCGGCCGACGGCTAGAGCGGAGACCCCGCGCCCCCTCCGC
CCGCGTGGCCCCGCGGGGTGCGGGGCCCGGGAGGCACGGGGCTGCGCGTGGGGCGC
AGCCGCCGCCCGCTGTGCTCGGAGGCCGCGGGGCCGGCTCCGGGGTCTCCCGACCT
GCAGCCCCAGCGGTACCGCGCCTCGCCAGGCCAGGCCAGGCCCGACGTGCGCTTCCCT
ACGTGCGCGGCGCCCGCCACGAGCTCCCTCAGACGAGCCGAACGCCGAATGGCCCCGAG
CACGGGAAGTGCCCGCCCCCGCGTGCAGCCAGCCAATGGGACGCCGAAAGCGGGGAGGT
GCCGAGGGGACGTAGCGTGCGCCGCGCCAGGTCTCTAGCAGCTGCCGTGAGCCGCCGGAC
GGACGCTCGTCTTCGCCCGCCATGGCCGAGAGCGACTGGGACACGGTGACGGTGTGCGC
AAGAAGGGCCCTACGGCCGCCAGGCCAAATCCAAGCAGGTGCTTTGCTGACTGAGGAGC
>EP74051 (+) Hs IFITM2; range -499 to 100.

TTTTTTGTATATTTAGTAGAGCGGGTTTACCGTGTAGCCAGGATGGTCTCGATCT
CCTGACCTCATGATCTCCACCTCAGCCTCCCAAAGTGTGGGATTACAGGCGTGAGCC
ACGGCGCCCCGGCAGAGGTGAGGGCTTTGGGGAACGTTGTGGGCGCTGGAGTGTGGAGG
CGTCAGCGCAGGCTGGCAGGAGCCCTGAACCGGGACAGTGAGGTCTGCAGTGTGCGC
CTGGGGTGTGGAGACTCCCAACAGGGGAAGTCTCCAGGACCCACACCACTAACAAGA
TGAGACTTGTGCTCTTTGGGCTCTAGAGAGGAAGCCCTCTTAGCCCTCAGCCCTCTT
TCCTCCCTCTCTAAAGTAATTTGATCCTCAGGAATTTGTTCTGCCCTTATCTGGCCCTG
GCCAGCTCTGCATTTGACAAATGCCAGGAAGAGGAACTGTTGAGAAAACGGAACCTACTG
GGGAAAGGGAGGGCTCACTGAGAACCATCCCGGTAACCCGATCACCGCTGGTCACCATGA
ACCACATTGTGCAACCTTCTCTCTGTCAACAGCGGCCAGCCTCCCAACTACGAGATGC
>EP74052 (+) Hs LIG1; range -499 to 100.

CCCCCTCCCCGCGCTGCGGCACCTTCCAGCCCCGCGTCCACCTAGCTGTGCCTCTC
CCCTCCCCAAGATGTGCACCTTCCCGCCCTCCCACTCACCTACCCGCCCCGAGCGG
CGTCCACCTCCCAATGCCCCGCGCCAGGCCTGGCCCCGCCCTTGTCCCGGATGCC
CCGCGCGGTCTCCCGCTCTCTTCCCGCGTGCCTCGCGGGGGCGTTCCACCGATTCT
CCTCTTTCCCTGCCAGTCACTCCTCAGACCCTCAGCCACACCCGCTCATCCAGGGCGAGG

GAAAGCGCGGCATTTTCCAGTGTGCTCTGCGGGAGGGCTCGCCCCACTTCACCCCTTT
TCCCGCCCTCCTCCCATTCGGGAGACTACGACTCCAGTGTCTCCGCGCGACGGCGGCG
GTGCGGACGGTGCCAGGTCCCGCCCTAGGCTCTGCCCCGCCCCCGCCGACAGAGTCT
GCGCGGAATGCCGTGGCGGAACTTGGGACTGCAGAGGCGCGCTGGCGGATCTGAGTG
TGTTGCCCGGGCAGCGGCGCGGGACCAACGCAAGGCAAGTGGGGCCGTCCGCAAGCAG
>EP74053 (+) Hs FAU P1; range -499 to 100.

ATGCTAGGACCCCGCCCTTACCTGAAACGTTGTGGCTTATATAGACACTGCCAGGCACT
GTGTTAAGTGCTCCCAAAGAGACCCCCAGTCTACCATTTTCCCTCTCGATTCTATATGTA
CACTCGGGACAAGTTCTCCTGATCGAAAACGGCAAACTAAGGCCCAAGTAGGAATGCC
TTAGTTTTTCGGGGTTAACAATGATTAACACTGAGCCTCACACCCACGCGATGCCCTCAGC
TCCTCGCTCAGCGCTCTACCAACAGCCGTAGCCCGCAGCCCCGCTGGACACCGGTTCTC
CATCCCCGCAGCGTAGCCCGGAACATGGTAGCTGCCATCTTTACCTGTACGCCAGCCTT
CTGTGCGCGCAACTGTCTGGTCCCGCCCCGTCTGCGCGAGCTGCCTGCCCAGGCAGGTT
CGCCGGTGCGAGCGTAAAGGGGCGGAGCTAGGACTGCCTTGGGCGGTACAAATAGCAGGG
AACC GCGCGGTGCTCAGCAGTGACGTGACACGCAGCCACGGTCTGTACTGACGCGCCC
TCGCTTCTTCTCTTTCTCGACTCCATCTTCGCGGTAGCTGGGACCGCCGTTCAAGTAAG
>EP74054 (+) Hs FAU P2; range -499 to 100.

TGTTAAGTGCTCCCAAAGAGACCCCACTTACCATTTTCCCTCTCGATTCTATATGTAC
ACTCGGGACAAGTTCTCCTGATCGAAAACGGCAAACTAAGGCCCAAGTAGGAATGCCT
TAGTTTTTCGGGGTTAACAATGATTAACACTGAGCCTCACACCCACGCGATGCCCTCAGCT
CCTCGCTCAGCGCTCTACCAACAGCCGTAGCCCGCAGCCCCGCTGGACACCGGTTCTCC
ATCCCCGCGAGCTAGCCCGGAACATGGTAGCTGCCATCTTTACCTGTACGCCAGCCTTC
TGTGCGCGCAACTGTCTGGTCCCGCCCCGTCTGCGCGAGCTGCCTGCCCAGGCAGGTTT
GCCGGTGCGAGCGTAAAGGGGCGGAGCTAGGACTGCCTTGGGCGGTACAAATAGCAGGGA
ACCGCGCGGTGCTCAGCAGTGACGTGACACGCAGCCACGGTCTGTACTGACGCGCCCT
CGCTTCTTCTCTTTCTCGACTCCATCTTCGCGGTAGCTGGGACCGCCGTTCAAGTAAGA
ATGGGGCCTTGCTGGATCCGAAGGGCTTGTAGCAGGTTGGCTGCGGGGTGAGAAGGCGC
>EP74055 (+) Hs APP; range -499 to 100.

TAAACTATCTGGACACTAACTGGACAGTGGACGGTTTGTGTTTAAATCCAGGAGAAAGTGG
CATGGCAGAAGGTTCAATTTCTATAATTCAGGACAGACACAATGAAGAACAAAGGGCAGCGT
TTGAGGTGAGAAGTCTCATTTACGGGGGTGGAATACGAATGATCTCTCTAATTTTTCC
TTCTTCCCAACTCAGATGGATGTTACATCCCTGCTTAACAACAAAAAAGACCCCCCGC
CCCGCAAAATCCACATGACACCCCTTTAACAACAAAAACCAAAAAACAAACAAAAAT
ATAAGAAAGAAACAAACCCCAAGCCCAAGAACCTGCTTTCAAGAAGAAATGAGGTTG
GCCGCTTCTTTGCCAGGTCCTGCGCCTTGCTCCTTTGGTTCTGTTCTAAAGATAGAAATTC
CAGGTTGCTCGTGCCTGCTTTTGACGTTGGGGGTTAAAAATGAGGTTTGTGTCTCAA
CAAGCAAAGAAAATCCTATTTCTTTAAGCTTCACTCGTTCTCATTCTCTCCAGAAACG
CCTGCCCCACCTCTCAAACCGAGAGAAAAACGAAATGCGGATAAAAACGCACCCTAGC
>EP74056 (+) Hs MIC2; range -499 to 100.

CTTTCCCGAGCAGGGGAGCTGCTGGGAAAGTTTGTGTTTTTGTCTCCCACTGGAGACCAGG
GGGTGAGGGGCGGAGAAGTGGCTGCAGGGGCGAGTGGGGAGAGGGGGCTCTATGTTTCCA
AGAAGGGCGGCAGTTTTGTGCCACTACAGTTAAGGGCCGCCCTCGGGCGTGCAATCAGAG
GGCTGTAAACCGGGAGGGACCCGCACTTTCCCGAGAAGTTGTAGTTCACTTTGCTTCGG
GTCGGCGCCGCCCTGGCTACGGCCCTGTGGGTGGGTGAGGGGGCGTGGGCAGTTTCCTGA
GAAGGGGCGGGGCGGTGTACCGTACTCCCTCGGCGCTGCCTGGGCCACCCCCGCCGCCCT
ACCCCTCTGTCTCCTCCCGGGGCGGCGGTTCCCGCCCTTCTGTGCGCGCGTGGAGGC
CGGGGCGGGGCGGGCGCAGCCGGCGCTGAGCTTGAGGGCCGCTCCCTCACCCGCCCCC
TTCGAGTCCCGGGCTTCGCCACCCGGCCGCTGGGGGAGTATCTGTCTGCGGCCCTTC
GCCACGCCCTGCACTCCGGGACCGTCCCTGCGCGCTCTGGGCGCACCATGGCCCGCGGG
>EP74058 (+) Hs RPL8 P1; range -499 to 100.

GGACATTTGCCACCTGCAAACCATGACGTTCCACGAGTGGGTCCACGCGTCTCCCTGCC
CATCTCTGCTCTGCACCAGCGAGAACCCCTCGGCCTACACGGAAGCCCTCACAGGC
AAGCCGGGAGCCCCAGACCCCGTGGCCCGAGTGGGTGCTCTGTGACACCCTGGACAGG
TCACTCAACCACTTGGCGCTCTCGGCCACTCAGAAAACACCTGCCCTCCCGGAGACCC
CGGTGAAAGCCGAGCACTCTGCACCCTCCTCCGAGCCACGCACACCAGGACACCTTC
AGCCGCGTCTCCTGGTGCCTGCGCGGGGGCCCTGGAGGAGGAGAAGTAGGCGGGGCCG
GCGGCCGCTGGTGAATAAGCCCCGGCGTGACCGCGCTAGGCTGGCCGTGGCGCGCCC
GGAAGGTGTGCGGGCCCTGGGCCCCGCCCGGAAGATAAGGCCGCTCGCTGACGCCGTGT
TTCTCTTTTCGGCCGCGCTGGTGAACAGGTAGGTCATCCTTGCGGCCCTTGCGGCATGGGC
AGTATCCGCCGCATCCTCTTCCGTGAGGCGCGCTGAGACCCGGACCGGCCCTCCTGAGA
>EP74059 (+) Hs RPL8 P2; range -499 to 100.

CGGTGAAAGCCGAGCACTCTGCACCCTCCTTCCGAGCCACGCACACCAGGACACCTTC
AGCCGCGTCTCCTGGTGCCTGCGCGGGGGCCCTGGAGGAGGAGAAGTAGGCGGGGCCG
GCGGCCGCTGGTGAATAAGCCCCGGCGTGACCGCGCTAGGCTGGCCGTGGCGCGCCC
GGAAGGTGTGCGGGCCCTGGGCCCCGCCCGGAAGATAAGGCCGCTCGCTGACGCCGTGT

TTCCTCTTTTCGCGCCGCTGGTGAACAGGTAGGTCATCCTTGCGGCCCTTGCGGCATGGGC
AGTATCCGCCGCATCCTCTTCCGTGAGGCGCGCTGAGACCCGACCGGCCCTCCTGAGA
GGATGCCGGTGCGGGCGCCCCGCGAGAGGGTAGGGAGTGGTGGGCGCGCGCCTCGGGG
GCGGGGTCCCGAAAGCCGGGCTGGCGGGGGTACCGGGCCCGCGCGCTAATCGT
GAGTCGCCCCAGGACCGCTCGCCATGGGCGTGTGATCCGTGGACAGAGGAAGGCGCC
GGGTCTGTGTTCCGCGCGCACGTGAAGCACGTAAGGCGCTGCGGCCTGCGCGCCGTG
>EP74060 (+) Hs CTNBL1; range -499 to 100.

TTTGACCCAGTATATCCAAATATCATTTCAACCTGTAATCAATGTAAGTCTTAGAAATC
TGGTGTGTATTTTATTTACACTTATGGCACATCTCACTTCGGAGTAGCCATATCTCAAGC
GCTCGGTAGCCATATGTGGCTAGTGAGTAAAGTATTGGATGGTGCAGTTGGGAGCGTCAG
TTTCCTTTTCTGTGAAATGAGGATAAATCACTGGAAGCTCGTGAGAGCGCACACGAAACA
CCCGGCACTCCGCCCTGGACACTAGGGACGCGCAATCAAGTTTGGTTTCTTCTGGTCCCT
GCTCTCCCTCCCGCCCTCTCTAAGTCTCCGCCCTTTCCCGCCCCCTCAGGCTCC
AGGCGGAAGCAACCCTGTTCCAAATGCAGCGCGCTTTACGGCGGCGCTCCTTTTACCGC
GGTGTGGCCGGCTCGCTTGTCTGCTCGCACTTTTGCCTATTGGCTCTGCGGCTCCGCTCG
CCGCACTTTACGGCAGTGTGGCTGGAGCCGCGGCTGACGGGCGCGGCTGCGGCTGAG
TGCAGGGAAGTGGAGTATTGTGGGCCGGGTACCATGGACGTGGGCGAACTTCTGAGCT
>EP74061 (+) Hs RNASEH1; range -499 to 100.

GCTTATTCTAATTCATGAATTCTAACATCTTTCTGCCACTAAAAATGTGCATTTCATTC
ATCTGGCCACAGCCCTTACTGTAGATCCGCATCCCTGGAGCTCTCGAGGAGCCGCGTTA
CCGCACGTGGGTGCCGGGCGCCAGGGGGTTCAAGGGCTTCCCGCGGTGACCCGAGCACGC
CGGGGCGTGGCCCCGAAGTGCAGGCTGGGGGCGGGAGAGAAGGGGCCAACATGGTCC
ATCTCGACCTTCTCTGCCGGGCCAGGGCTTCAGCCCCGCTCCCATAGGCCCCGCCCA
TCCAGACCTCGCCCGCTTCGGGATCTCAGCCCTGGCTCCGCTTCTTCAAGTACCGACA
GGAAGTTGACGAGTTTGGGCTCGTCAGGGGCGGAGCTCCGGGCTCCGCCCTACGACACCG
CCCTCCCTAGGCCCCGGCCCTCATCAGGACTCCGCCAGACGTGCGTCATCTTCCCGCG
CCGGTGACGGAAGTGCGGTGTTGAGCGCCGGCGGCTCGCGCCACGCTGGGCCGGGAGTC
GAAATGCTTCCCGGTGCCGGGAGTGAGCGATGAGCTGGCTTCTGTTCTGGCCACAGAG
>EP74062 (+) Hs CNP; range -499 to 100.

AGACTGACTTTCGGCTGGCACAGGGCCTGGACGAATGAGGCCAGTGAGGCATTTTCAGATG
CAGAGTTTACCGGAATGCCAGCAAATTCATGATAATATTTTAAATCCAATGTGGTAAAAA
AAAAAGTTTTTAATTAATGCAAAAGTCCATGATGAATAAAATATCAAAATTAAGACAG
GATCCGACTTTGCACGACCCTGCCTCACTCACTTCTGCTAATCCACGGGACCGGGGAGG
GTGACTGAGTTACCCCTCAACACGCAGAAAAAGCTAGTGCCGCTCAGCTCGCAGGCGCA
GTGGGTGGGTGCGCGTGGGGAGCAGGCGCGCAGGGGGCGGGACCGGGCCGAGGTTCCC
GCGCGCGCGAGAGTTTCGGGTTTTGGTTTCGAGCGCCTGCGCGCAGAGGAGACGGCCCG
CCCCAGCCCGCCGGGTGCCGCTCCGCCCCCGGGCTATGTAAAGCGGCCGGGCTCGG
GTCGTGCCACCGCTGGACTCCCGTGTCCCTCCGCGCAGGCGGGCGGCCCGGAGCGCTGG
TGCCGGCAGAGCGGCGACGTTGGCGCCCTCCTCATCATGGTGAGAGCCGGGCGGGGCG
>EP74063 (+) Hs CDKN1A; range -499 to 100.

GTGGGGCTTTTCTGAAATTGCAGAGAGGTGCATCGTTTTTATAATTTATGAATTTTAT
GTATTAATGTATCCTCCTGATCTTTTTCAGCTGCATTGGGTAAATCCTTGCTGCCAGAG
TGGGTGAGCGGTGAGCCAGAAAGGGGGCTCATTCTAACAGTGCTGTGTCTCCTGGAGAG
TGCCAACCTATTCTCCAAGTAAAAAAGCCAGATTTGTGGCTCACTTCGTGGGAAATGT
GTCCAGCGCACCAACGCAGGCGAGGGACTGGGGGAGGAGGGAAGTGCCCTCCTGCAGCAC
GCGAGGTTCCGGGACCGGCTGGCCTGCTGGAACCTCGGCCAGGCTCAGTGCGCTCGGCGCT
GGGCAGCCAGGAGCCTGGGCCCGGGGAGGGCGGTCCCGGGCGGCGGTTGGGCCGAGCG
CGGGTCCCGCTCCTTGAGGCGGGCCCGGGCGGGCGGTTGTATATCAGGGCCGCGCTGA
GCTGCGCCAGCTGAGGTGTGAGCAGTGCCGAAGTCAGTTCTTGTGGAGCCGGAGCTGG
GCGCGGATTGCGCGAGGCACCGAGGCACTCAGAGGAGGTGAGAGCGGCGGCAGACAAC
>EP74064 (+) Hs PSME2; range -499 to 100.

GTCCTGAAGGCAGAGGGAAGACCCTCACCCAACCCCTGCCGCTCTCTTCTAAGAGCTGC
TAGTCCTTCTCCACCCAGGCGCTCCCTCTGGCTGCCCTCCCACTCGCTCTGATCTCTC
TCCGTCCGCTACTTGCGGTGAGCCTTCTTGGGGGAGCCCCGCCACTGAATACCCCTTT
GCCATACTCCACCTCTCTTACCCCAACCTGGACTTCCAGTTGGCCCTAGCTATAAGCC
CCGCCCTCTCCGAGGGACAGCCCCGCTCCAGTCTCCGCGGTCCCACTTACCCTAGCCC
CTCCCTCGGGCAGCCCCCTGGACTGTGACCCAGCCAGCACCGCTCTCCTAGTGGCAACTG
GCTGGGAATGGCTGAGGGGCTACCTACTGCTTGCGGCCTGCCAGCGGGAGGAGGGGGCG
GAAAGAAGAAAGGGGGCGGGGTTGAGGGGGCGGGCCTGGACCTGGGGAGTGAAAGCGAA
AGCCCCGGGCGACTAGCCGGGAGACCAGAGATCTAGCGACTGAAGCAGCATGGCCAAGCCG
TGTGGGTGCGCCTGAGCGGGGAAGCCCGCAAACAGGTAATGGGGAATCGGAGGCCAGGA
>EP74065 (+) Hs PSMB8; range -499 to 100.

CACCAGCAGCTCATGGAGAAAAAGGGGTGCTACTGGGCCATGGTGCAGGCTCCTGCAGAT
GCTCCAGAATGAAAGCCTTCTCAGACCTGCGCACTCCATCTCCCTCCCTTTTCTTCTCTC
TGTGGTGGAGAACACAGCTGCAGAGTAGGCAGCTGCCTCCAGGATGAGTTACTTGAAAT

TTGCCTTGAGTGTGTACCTCCTTTCCAAGCTCCTCGTGATAATGCAGACTTCCTGGAGT
ACAAACACAGGATTTGTAATTCCTTACTGTAAACGGAGTTTAGAGCCAGGGCTGATGCTTT
GGTGTGGCCAGCACTCTGAAACTGAGAAATGTTTACAATGTACGAAAGATGATCAGCTA
TTTTCAACATAACTGAAGGCATATGCTGGCCATAAACACCCTGTAGGTTCTTGATATTT
ATAATAAAATTTGGTGTGTTTGTACTGTGGTTTCTTATGTTTCCGGCACACCAAACGGCCCA
CTGCCTTTTGCAGCGCACTTTTCAGCTGCGGATGTCTCCTTTTTATCATCTCAATGTT
TTACCCCCTAACTGCATCACCTTTTCCCTTAAGCTTTTTAATTCCTATGAGGCCCTTCC
>EP74066 (+) Hs MRP516; range -499 to 100.

CTAGTCACTTACAATCCTTCTCCTAGTCTCGGCCCTGACACTACCTCCTCTGTGAAGTCT
TCCTTAGCAAGCACTAGGTTTGCCTTCTCTGCTCGCTGTCTTGCGCTGAGTACTACTGA
TCGCGCTAGTTTCTCTGCTGTCTCACGGTCTCCCCAGCGGACTGTGAGCTCCACGAG
GAAAGAACAGCGCCCTTTAGTATTTGCGTTCTCAGCGTTGCGCCTCGGCACCAACGCTTG
CAAGATGGATGGCTTTTGTAGCACTTCTCTGGCGCGCTGGGATTGCGCTAAAACCTTCT
GACTCCAGCAGGGACTCACAAGTCTGAGAGGGATCGCACCGCCACTCCCAACAGACCA
CGAGAAACGCCCTCTTTTGCAGCAGTTTAAAGGTACGTTAGGGGTACCGTGTGATTGTG
GGAAGTATAGGGCGGCAAGCGGAGGAGCGTGGCGAGCGGATCATCCGCTTCCGGAGTCG
AGGTTTTTGGGCTTGTACCGCTTGGCGGTGCGCCTGGTGTGCGCTTGCAGGTTCTTTCT
GTGTTTGTCTCTGCCCTGCCAAGGCCGTAGAGCTGGTGCCTGCGGGTAGCGGGGCTCTC
>EP74067 (+) Hs RPS24; range -499 to 100.

AGATCTTTTAAAGTAAAGATTCGTCATAAAAGTCACAGAAATAATACTCATGAATAATA
ATTAGAATGGGCAATGTTAAGTACTTGAAATAACAAAGTTTTAGAGTCAGGGTTTCTGC
AGTTTCCCTAGCCATATAACGAGGAGACTGTTAGAGAGGATATCTAAAATGCTTTCCAA
GTTTACCCACCTCTAACTCGGAAGAAGGCAATTTAACTAATTTGGTTTACCGGAATTCA
AATACGTACAATTCAACATAATGAATTGAACTGAAATTGAACACCTGCTTGCCTAACCT
AGTCGGCTCGAGTTGTTCTGGTTCTGGATTGGTCAGTCTAGAGTTCCAGGGGTGTGGCCA
AAAGTCTGTGAGGCGGGGCCGTAGGCAGCCTAAATCAGGCATCGGCGCGGTGAGCCTCGT
GGCGCGCCACGCCCCACGCCGGCTCTTCCCGGGTCTTCCGTGCGCGTTGATATGAT
TGGCCGGCGAATCGTGGTTCTTTTTCTCCTTGGCTGTCTGAAGATAGATCGCCATCAT
GGTGAGTCTCCTGGGCCGTGCACTATCTGCCGCTATCCGAGCCATCCGTGGTCCCT
>EP74068 (+) Hs GRN; range -499 to 100.

TCCCAGTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCCGGGAGGCAGAGTTGC
AGTGAGCCGAGATCGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGCGACAGAGTGAGACTCCGTCTCAG
AACAAACAAACAAAAGATAGAAAGCGAGCACAAATATCCCAATTCAACACTCCCT
CGCACTGTCAATGCCCCAGACACGCGCTATCATCTAGCAAACCTCCCAAGGCGCCTGC
AGGATGGGTTAAGGAAGGCGACGAGCACCAGCTGCCCTGCTGAGGCTGTCCCGACGTAC
ATGATTCTCCAATCACATGATCCCTAGAAATGGGGTGTGGGGCGAGAGGAAGCAGGGAGG
AGAGTGATTTGAGTAGAAAAGAAACACAGCATTCCAGGCTGGCCCCACCTCTATATTGAT
AAGTAGCCAATGGGAGCGGGTAGCCCTGATCCCTGGCCAATGGAACTGAGGTAGGCGGG
TCATCGCGCTGGGGTCTGTAGTCTGAGCGCTACCCGTTGCTGCTGCCCAAGGACCGCGG
AGTCGGACGCAGGTAGGAGAGCGGCCGCGCAGACCTCTCGCTGCTCTGCCAGGGGCC
>EP74069 (+) Hs SCARB1; range -499 to 100.

GGGGTTCTGGGTGGGCTGGCGAAGTCCTACTCACAGTGACCAACCATGATGATGGTCCC
GATAGAGGAGGAGAGGGAGGAGGAGGAAAAAGGAAGGGTGAGGGGCTCAGAGGGGAGAGC
TGGGAGGAGGGGAGACATAGTTGGGGGAAGGGGTAGGAGAAAGGGGAAGGGAGCAAGAGG
GTGAGGGGACACAGGCCCATAGACGTTTTGGCTCAGCGGCCACGAGGCCTCCTCAGCTC
CCGCCCCAAAACGGAAGCGAGGCCGTGGGGGCGAGCGGCAGCATGGCGGGGCTTGTCTTG
CGGCCATGGCCCCGCCCTGCCGTCCGATCAGCGCCCCGCCCGTCCCCGCCCGACC
CCGCCCCGGGCCGCTCAGGCCCGCCCCGCGCGCGGAATCCTGAAGCCCAAGGCTGCC
CGGGGGCGGTCCGGCGGCGCCGGGCATAGGGGCATAAAACCACTGGCCACCTGCCGGGCTG
CTCCTGCGTGCCTGCCGTCCCGATCCACGTCCTCTGCGGCTGCTGCGCGGAGTCTC
CCGCGCTGTGCTGCTCTGTCGCGCTCCCGTCTCCTGCCAGGCGCGGAGCCCTGCGAGC
>EP74070 (+) Hs COX6A1; range -499 to 100.

ATATATATATATAATATATATATATTTATATATTTTTATGTATATATATTATATATATA
TTTATATATTTTTATGTATATATATTATATATATTTATATATTTTTATGTATATATTA
TATATATTTATATATTTTTATGTATATATTATATATATTTATATATATTTTATGTATA
TATTATATATATTTATATATTATGTATATATATTATATATATTTTATATATTTTATGTAT
ATATATTATATATATTTATATATATTTTATGTATATATATTATATATTTTATATATTTTAT
ATATGTATATTTTATATATATTTTATATATTATATATATTTTATATATTTTATATATATA
CACACATAGAGATATATGTACATATGCATAGAGATAATACACATATATTTGTAATGTGT
ATATATACACCATATATATTATCTATTCAAAGTAAATAAAGTTGAACATTTTAAATAA
TGCTTTGCGGCGCTGCGGCAGTCCAGATCAAAAATGGCGGCAGTTGGTGTGTTCTCGGTT
TCTCGGCTGTGGGTGGTCCCGCCACAGCTGGGGCGGCTATGTCGAGTGGCGCCCAT
>EP74071 (+) Hs RARS; range -499 to 100.

CTTCCTAGCAATTAACCTACCTGAGATTATGCTTTTTTGGTCTATTTTCTCTCTCCA
TTCTAAAATGTGCTGCCGTGAGAGGGGAGATCGTGTCTGTTTTGTTTTCTTTGTGCCCC

CAGAGCCTAGAATACTGTCTGGCATTTTAAAGTACACAATAAATGTTTGTGAATAAATG
AATGGATTTGTTAGTTTTGTGCCATTTACAAAGGGGCAAAGTGAGGCCTTTGAGAGCC
AGAAGCTCTAGGTCAGTGACTGTCTAGTCTATCCAAGCACAGAGCAGCTCTGGTTAGTG
TCTGCTCAATTCTCTCCCTCGCCAAACGTCCCTGAGTTGCGGCCTCGCTCCTGACCG
AAATCCCCGCGGGTTCTCCTCGCAGTGTCTACTGGATCCCGCCAGGAGGCAGCAGAGGCG
CCAGCACCCAGTCCGACGGGACAGCGGACCGAGGGGGTTTCCGTTCCGGGAGAGGCTG
ACCGTTTCCGCTTCCGTCCACTTGGCGAGTGAGACGCTGATGGGAGGATGGACGTACTGG
TGTCTGAGTGCTCCGCGCGGCTGCTGCAGCAGGTTTGGACGCAGGAGACCGGCGGGAAGG
>EP74072 (+) Hs RPL13 P1; range -499 to 100.

AAAAACCACAAATGTTCTAAATGGATGGGAGGAGAATAAACGCTGGAACGACAAGGACGA
AGGCCTTAGGTTGCGCAAACCTCGGATGTCACTGAAGTTTTTCTGCCTTTGCGCTGCAAAC
GTGTCTCACAAATGTGAACAAACAGAATTCCTCGGGCGTCGCCCCTTCGCCGTGGGCCA
GATACCGACTCGCGCGCGTTAGCCCGCAAGACAGGACTCGGCCGCGGCCCGCGCAGCGG
CTGAAGCGCCGGGGCAGTAACGGCGGACGTCAAGCAAGTCCGGCCGTGGTTACTCAGGG
CCCAGGAATCACGGCCGCCCGCCGCTTCTCAGCGGCAACATGTCTGCGACGGCGGCC
TAGGGCTGCCGGGAGAGCGCGGCGACGTCAAGTCTCTCTTTTGGGGCTCTGATTGGTCA
GAGCGCCCGCGCTTCTGGTTGGCGGCCCTGCTATCATCCAGAGTGCAATTGCGGGGCC
GCTTCCTTTCCGCTCGGCTGTTTCTGCGCAGGAGGTGAGGGAGACTGGGTCTGGCCT
TTGGGCATCATCCAGCGCCATCGGCCTGGCGCTTCAGCCAACGCGGGAGTGATGGGCC
>EP74073 (+) Hs RPL13 P2+; range -499 to 100.

GCCGGGGCAGTAACGGCGGACGTCAAGCAAGTCCGGCCGTGGTTACTCAGGGCCCAGGA
ATCACGGCCGCCCGCGCATTCTCAGCGGCAACATGTCTGCGACGGCGGCCCTAGGGCT
GCCGGGAGAGCCGCGGCGACGTCAAGTCTCTCTTTTGGGGCTCTGATTGGTCAGAGCGCC
CGCGCTTCTGGTTGGCCGGCCCTGCTATCATCCAGAGTGCAATTGCGGGGCCGCTTCCT
TTCCGCTCGGCTGTTTTCTGCGCAGGAGGTGAGGGAGACTGGGTCTGGCCTTTGGGCA
TCATCCAGCGCCATCGGCCTGGCGCTTCAGCCAACGCGGGAGTGATGGGCCCTTCTTC
TTCGACAGACGCTTCGGCCGCTGCCCGGGCTTAGGCGCGGCCGACGGCCAGTCTGG
AGGGTTCCGGGGCGGAGGCCGGGGGGGTGCGCGCGCCCGGGGTCCGGCCTCTCACTCGCT
CCCCTCTCGTCCGACCGCGCAGGGCCGTAGGCAGCCATGGCGCCAGCCGGAATGGCATG
GTCTTGAAGCCCCACTTCCACAAGGACTGGCAGCGGCGCGTGCCACGTGGTTCAACCAG
>EP74074 (+) Hs IFNGR1; range -499 to 100.

GCCGATTTGATTTGGGCTGTGGGAATCTGCACAAACATTTCACTAGCTAAGTCTCAGGT
TCCTCAAATGAAAAAGCAGGACTGGAAATGGCTTTTGAAGTCTCATTCTTTCTAAAAA
TGTCAGGCTCCAAGACAACCAAGGTGAAGTCCAAGAGTTAGTAAATAAGGATTGTGGCTC
GGCTGTGGCCTAATGCAAACCTTGACAACCCAGGAAACCGAAAAAACTGGAAGAAGAA
TTGCAGAATGGGGTGCCAGGTTGAAAGACCTTAACCTTTGCACTCAAATTCTCCACAC
CCAGAAGTCCAGGTCCCGACCGCACGACGCCGTGCTCACTGCTGGGTGCTGCGCCTGAGT
CCGCCTCTGCGGCTTCCCGACTTGACCCCGCCACGCCCTGGTCCCGCCTCTGCCGA
CGCCGGCACAGACCCCGGTGACGGAAGTGACGTAAGGCCGGGGCTGGAGGGCAGTGCTGG
GCTGGTCCCGCAGGCGCTCGGGGTTGGAGCCAGCGACCGTCCGTAGCAGCATGGCTCTCC
TCTTTCTCTACCCCTTGTCATGACGGGTGTGAGCAGGGCTGAGATGGGCACCGCGGATC
>EP74075 (+) Hs WBSR1; range -499 to 100.

GCCTTTACTTGGGTGTACCCGGGGACCACTTGGGGGTCCAAGCGGGACAGGCCTCCGAG
GTCCCCGCCATGTATGGAGGCCGAAAGGCAGCGTCCAGGCCAACTGGAGAGGGAGTTCC
CCCCAGCTCTCCAGGTACCTCCCGCCGACGGACGGAAGGCCGGCGCGCACGGGCGTGG
TGCGGGCGGGATAGGAGGCAGCCAGGGCGCACCCAGGGCCAGCACATAATGGGCCGCG
TAGGCCGGGACAGGCGTCCAGTGGGACGCCCGCCGACCACTGGGTGCGAGAGCGCACGG
GGCAGGCAGTGCCGGTGGGCCCAGGGCCGGGCGCTGCGCGGCCAGCGTCCGTGCGTGCG
TGCGCGCGCGCGCTGCGCGTGCCTCAAGGGATTGCGATCAGGCGGCGCGGCGG
ACAGCCCCGGCGGGCGGGGGAGTTATATTGCGGGGTCTTCCTCGCTCACCTGG
TTCCTCTCGGAGCGGAGACGGCAAATGGCGGACTTCGACACCTACGACGATCGGGCCTAC
AGCAGCTTCGGCGGCGGAGAGGGTGAGGCGGGCGTGCGCGGGCCCCGTGCGGGGCTGCG
>EP74076 (+) Hs RPS4Y; range -499 to 100.

TCCATCATTTGAAAAAGGGCCGTCTACCTTGGCGATGTTTCACTTTTGGTCGCCCCTA
CTTGGTGGGTGGGAATGCTGCTGGTGTCTTCAAGAAACCCGATTTGGAGAGGGGAGGT
CTGAGAAGAGTGTGTCTGTTGTCTCGGTCTGGGGGCCGTACGTGAGTCCATCTTGA
CGCAGCCCGGCAAGTGGCTTTTACCCGGATTAGCTTATTTTACACGTTGAAGCAGCCTC
AGATTCGCTTGGAGAGCACTGTGGACGCTCTCTTGACGGATGCTAGGGAGACCCGCCAAG
TTTTCAAAGGTCTGTGCTTTGCGTGGTCTCTTCTGGGGTCTGGCAGGAAGTAATATTTGT
TCAAAACGGGGCTTGAGTATGGGCTGGGCGATCTTTCTCTTGTAGTCAGGTATTACCCG
TTAGCAGTTCCTACAGCTGAAGATGAGGGCATTTCACTGTACGCGGAACTAATTTCTCT
GAGTTTCTGTCTCTTTTACAGCCCGGGGCCCAAGAAGCACTTAAAGCGTGTGTCAGCGC
CGAAGCATTGGATGCTTGACAACTAACGGGTGTATTTGTGAGTATAACTTTGTTTTTG
>EP74077 (+) Hs RPS9 P1; range -499 to 100.

GGCGGGAGGCTCTCTCAGGCCGGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGCAACATGGCAAGACGC

CTTGGGTGACAGAGCGAGACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAGTTTACGC
AACCCGCTGCGTCCCCTCACCGCCGCGCACCCCGTCTCGCAGCTGGCGCGGTGTTTGTCT
GGTGACATGAACCTCAACCAGCCTCCACCATCTGGGGATCGGGGCGACATCCTTGGTCTGG
TTTGCAAGAGGACCCGACGCTCCAGCTGGGGCGGAATTGGAAGATTAGAAAAGGAAAG
TTGGGGAGGCGGGGAAGGAAGGGTGCAAAAGTGACACTGTGCCAGGGTCTCCAGGGCCGC
GGAGCTCCGGGACAGGCGAGCGCTTCCGAGCTGCACAAACGCGTGGGGCGGGGCGTCTCT
GGATCCGGAAGTTGCCTCTGCCCTCACCAAGATGGCGGCCCGGCGCCGCTCGCCACC
TCTCGTAACCAATGGAACCGCGGCGTCTCGGCCGATTCTCGCAGGCGCCCTCAGATCTACG
CTCTGTATGCAACCGCGGAATCGCGGAAACCGCCGGTGACAGTTGGAGTCTAAGACGG
CGTCGGTGTTCAGTCTGTGTCTTGGAGGTACCAAGGCCACTGCAGGCATGGTGCTAG
>EP74083 (+) Hs LAMR1: range -499 to 100.

CTTTTTCAGAGAAAACCTCCCTTAAGTGAACATTTAAATCTGAATTACGTCCTGTTAAAC
TGTTCTCCAGGAAAATAAAATAAAATAAATCTTCAAGTTTTTGTGTACCTAACAATTTGT
TGTGTGCAACAAACCTTCTACTTTTCAGGTAAACAAAATGGCAGCTTAGGCTAGAAAGCC
GCTCATATTGCGAGGTACAAGGGCTGGGTAAGAACGCCCCGCTGGCTGACTAATTGAG
TTCCGCGCTCTGGACAGGAATTATGCACAGGGCGTCTGTGGCACTAGAAACCCCAAAG
TCACAAGCGCCCCAGATCCGACCAGGATGCCGCTACCGGCTACAGCCAGAGGCCCGCTC
CTGCGGCGCAAGCCCGCTTCTGAAGAAAAAGCCAGTCCCGGCAGCGTTCTTCTCCGG
CTCCGCCCTTCTCCGCTCGACTTTCTTTGCCATTGGCTGACAACGGAGTACATAAGGAC
GTCATTTCTGCGCCTGTCTTTTCCGTGTACCTGCAGAGGGGTCCATACGGCGTTGTT
CTGGGTGAGTTCGTGTAGCGTCCCTGGCGCTTCCAGGGCTAGAAAAATGAGCTTTTCC
>EP74084 (+) Hs UFD1L; range -499 to 100.

GGGCGGACATCTTTACTTTGGGAAGAGAAGCCTACTGCCTCCCCTGGGAACCCTCAGGG
AAAGTATACTTTCTAACCATAACATTAACCTCAGTCACATACCCAATGGGGCAGCATTTACG
TTTGCAATAGTTTTTGGTGTGGTTGAAGAAGGATTTGTAGCTTAGTTCCGCCCGAGTC
CTCGATGGCTGAAGCAGAGGCAGTCTGGGTAGTGCATTGTGGGTAGTGTAGTCGTAAGGA
CAATGGGCCCTACTAAATTCGTCTGGAGGGGAATACTGTCAACACGTAATTTAAATAAC
GTTTAAAAATACCTATAAAAGGGGAAATAAATCACGAAAGGGCATTTTAATGCTTCTACT
GAGGGTGTTTTTAGAGCCTAGCGTCTTCGCTTGGCCTTTTCTTTTGCAGCCGACGCTTT
GTCCCGGGCACCCCCCTCCGGGTCTCGGGTCCGGCACTTCCGGTGAGCCTCTGGGGCGT
ACCGGCTTGGCGCGGCGGAGCGGCGGCTGGGAGAGCGGTGCGCGGGGTTTCTT
CGTTGCATTGCCTGAGAGGAGCGGAGTCTGCCAGGTGGTGTCCATCATGGTAAGCGCTGA
>EP74085 (+) Hs HNRPC; range -499 to 100.

TCCCTAGGCCCGGGGCTGGGGCAGGTCTTTTGGCGCCGTACCTAACTACGCCCTCAAC
CCTTTCCCCGCCCGCGCAGCCGGAATCCGAGGTCTGGGCGGATCTTCTACTAGGCAC
TCTAAGGGGCGAGGATAGGACGCCGCGGCCCAATCAGGCCTCCAGATAACCGGATGT
GAGACGGTGCAGATACAAAGCGAGTTTTCCACCCAGAGGGTGTCCCGTGCAATAGCCA
ATAAGCATTCTCCAGGCAATAAATGACAGGAAAACTAACCAGTTATAAACTAGTTTCTCT
CACGCATGTGGAATTCGCTGTCTAGTCTAACCCACTGCTAATTGTGATTGGATATCAT
TGTGAGGAGCGGTTGAAGTGTCTAATTAGGAGCGGGAGCGAAAAACGCACAGCCAATAG
GAAGATTCTCAGGAATGGGGCGGGGACTAGGCCTTCGCTCGGCGGAGAGGAGACTCGG
GGGCCATTTTGTGAAGAGACGAAGACTGAGCGGTTGTGGCCGCGTTGCCGACCTCCAGCA
GCAGTCGGCTTCTCTACGCAAGACCCGGGAGTAGGAGACTCAGAATCGAATCTCTTCTCC
>EP74086 (+) Hs MRPL20; range -499 to 100.

TAGGAAGGCAGAGGCGCGGCGAGCCGAGGTCTGGGCGCTGCACCCAGCCAGGGCGACC
GGGCGAGACCCGCTCTCAAAATGAGTAAGTAAACAAAGTGAAGGTTGAGAGGAACGGG
CACTTTTACACCGATGCGACCATCTCCACCTCGGTTCTGAACATCCTCGTGGCCCCAGG
GGGCGGCTGCCCTCCCCGCCGCGCCGACCCGAGCTCCCCGGCGCGGGGCCCCCGA
CCCGGGTCCGCTGCCCTACGGTGCCCTCGGAGCCACAGCTGCGGCCGGGGCGTGCTCC
GGGACGGTCCGCGTGCGCTGTGTTTATCCATCGTCCGCAATAGCCACGGGCGCTGCGG
CCCCGTTCTCTTTAGTCCCCGCCGCGGCCACATCCGCTCCCCAACACGCACCACCA
CCGCGAGTTCAGGAGCAAACTGGGCACCCGCGGGCTGACGGGAGACGACCTTCGCCCCG
GAAGTATCGCAGGGGCTGACCCGGAAGCGCTCGTGACCACCATTTCCGACCCGGGCAAGA
TGGCAGCGGCGCTGCGCGTGCGTTGTTGAGTGTTGGGACGCCGGCTGCAGGCGCCATG
>EP74087 (+) Hs GOLPH3; range -499 to 100.

CCTCCCCGCCAGCAGCAGAGAGCAAAGTCCTTCTGCGGATCCTGCAGACCCCGGAGTC
CAAATGGGACCCCGTCCACACGACCGCGGAGTCGCTCCGAAGACGGCGGTGTCTGGGGC
GTGGAGGGCACGGCTGGAGGCTGAGTGGGGTCCACCTTCGCGTGGCCAGGCTCTTCCAT
TCACGGGGGGCCCCGCCAGTTTCCAGCTCCAGCCTGGGTAGTGAAGGGGAAACGGGGAA
CGGAAGGAGGGGAGGACGTCACGGAGCAGGACTGCAGGACCGGGGTGAGGGGGCGCA
GGAACGCCAAAGAAAAGACAAGCACCAGGAGGCGGGAAGGGTGTAGGCTGCAGTGGCAGC
GGATCCCCGGCGCGCTTCCGGCGCTCCCGGCCAGCTCTCCGCGCCGACTCTGCCA
CATCTCCGGTGACGTGAGCCGGGGCGCCATATTGAAAGGCGCCGCGCGCCTCCGC
CTTGAGGCTCGGGGTGTTTGGGGACTGCGGCCACAGGCAGGAAGGCGCTCTCTCTGC
CCCGCGACGCCCGCCAGCCGCTTCGCCCTGACCTGTTTCTCATGACTGCCCCCGG
>EP74088 (+) Hs PRPF31; range -499 to 100.

AATTCCATCTCCGCGACCTCCGGAAGCCCCGGGCTCAGAGCTTCCGACCTCTTCAATCT
GTAGGTAAAGCGTTTCGAAAACTACTTGTCCCATCAGGCTCAGCAGCCGAGGACGGCGG
GACGTGGCCCTAGGCCTTGTGGGAGTTGTAGTTTCTGTTTCCGGCTTCGCTTCGGCCCA
CCCCACGTCCACCCCGAATCCCTGCTTAAAGGCCTTGCTTTCTTGTCTAACGCCGCAAC
CAGTCCTCTGAGTTGCCAACGTCTTTCTTCTTGTCTCGACGCCCGCTCGTCCGGCCACAG
CGATTCTCTGCTTAGCAGGATCGGTCCACAGCGGGACGTGAGTCCCTTTCTCTCGCGG
CTTACCGCTCTCTCCGCTAGTGCCAGGTGCTAATAAAGTTGTTGTTTCAAATGCGGCC
AGGAACATCGCAGCGGGGACCAATCAGAGAGTAGCTTTGCCTCTATAACGGCGCGAGAG
TGAGACGTATCGGTGAGCGACTAACGCTAGAAACAGTGGTGCGCGGAGAGGAGAGGTGA
GTGTGATGGAGACCACGGGGAGCGGGAGGCTGGGCTCCTGGGTCTGGGAGAAGAAGTGTG

>EP74089 (+) Hs MRPL15; range -499 to 100.

CAATACAGATGCACACGGATGAGAGTTCACACTTTGAGTCTTATTCAAAGATTGGTTATT
AGCCAGGCATTTTGATAGGTGCACTCAGTTTTATTTTCGTACCTCACGGTGATAATTAC
GCAAGCTCAAAAGCTAATAATTGACAGCTCACTTTGCTTTACTCTGGGTTCTGCATTGAC
CTCAGAGAAGACACGGCCTAGACAAACAGGCAAGGCCAACACTGACTCAAAAAGATCC
TTTATTTAACGCAGTGTTTTTAGTGCATGCTCTCGTTTGCGAAAGAGAAGGTTTTACGT
TCAGAATATTTAAAGGGACCCCGAGGACAAAGCAGGATCTCGGAAAATAAGATCACATCC
CCAAACAACATAAAGGACAACCGAGACAAGGTTGCAGACTCCCACGCCTCTGCCCGACTC
CCGGGCTTGCGCGCGCGGCTGCAGCGGACAGGGGCGGGGCCACGGCCACAAAGCAGCCC
CCGAGACCACGTGGCCTCCGAGCAGCTCAGGGCGCCCTTGAAAGTTCTTGGATCTGCGGG
TTATGGCCGGTCCCTTGACAGGGCGGTGGGGCCCGGGCCCTGGACCTACTCCGGGGCCTGC

>EP74090 (+) Hs SLC1A5; range -499 to 100.

ATTTTATTTAAATCTTACAGCAATCATATGAGACAAAAGCTTTTAAACCTGCACCTTAT
ATTCGAGGAATTAAAGTTCTCAGAGGCGACTAAAGACCAAACTCAGGGCTGAGGAGTTCC
AAAGCTGAGTTGAGTTGCAATGAATCACCGAGGACCACGGAGCTTTCTAGCGACCTC
GCACCAGGGAACGAACCCCTGTGGTTTAAAGGGCTCCAACCCACAACCCAGTTCTTTTGGC
GGGAAACAGCACCTCCCAAGGCCCGCCCTTCTGGCCCCGCCCGTCTCTCTGGGC
CCGGCTCTCTGGAGATGGGTATTATTAATCTGCCTTCTATGGGGGACCTGGCCCATCTCGG
GTATCAGCCCCGCCCTACTCGTCCAGTCTCCGAACGCTCTGCAGCCAATCGGCGCCCGA
GGGTGCGTCCCCGCTTCTCAAGCCCCGCCCTACCCTTATCCCTGGCAGTTCCGCTA
AACGGGCTCAGAGCCACGCGGCACGCCCGGAGGCTTTCTCTGGCTGGTAACCGCTACTC
CCGGACACCAGACCACCGCTTCCGTACACAGGGGCCCGCATCCACCCCTCCCGACCTA
>EP74091 (+) Hs SERPINB1; range -499 to 100.

AGATTTGGCCCCCTTTTGCCTTCCACTTTCCACCATTGAGGACGCAGCAGCAAGCTGTCA
TCTTGAAACAGAGAGCAGGTGTTTGGAAGTGGTTCTGTTTCATCTGATTCTGGGGGCC
CTCTTTTCCCTGTGCAAGATCCCCAAATTTGCTTCTTCTCTCAAAGAAAGCTCCCAAT
ATAGATGGGACTCAAAGGGAGTCATTTGCCCTCTAAGAGGTGTCACAATATGTCGTCTCA
GTCATTCACACCTTAGTAAGAAAAAGCTTTTCAGGTCCTTGCCAGAGATTCGGGGAAAGG
CTTTGAACTGAGAAAGAAGCCGCGCCCCCTGAGGAGGGCGCTGCCCGGAAGCCACGCTCAC
TTCTGCTTGCACTTAGGCGACCTCGGGAGCTCGGACTCTACGCAGTCACCGGAAGGGC
CGCCGCCCGCCCGCGGCTGCTGGCCCGGGTGACGCTCCGCTGCTATAAGAGCAGCGG
CCCTCGGTGCCTCCTTCTGACCTCGCACCCAGCTCGGAGCCCGGAGCGTGCCTCGGCGG
CCTGTCTGGTAAGGCCGGGCTCGGAGCGGTGGCGCGGGGCGGGCGCGGGGAGAGGCCA
>EP74092 (+) Hs CRABP2; range -499 to 100.

GAGTACGGAGTGGTCCCACTGGATCCAGTTCAGGGTTCAATGGAGCTAGGGCCAGCTACG
GCTCAAGATCTGGGGTCCGCTGCGGGTGGGGTGCAGGTGTCCGGCACCAAGGAGTTG
AATGCACCGAGTCAGGTTGGGGATGGGTGGGGAACAGGCGAGACGTGAGGAACTCGGGTG
GGGGACAGCCATACAGAGCCCTGAGCATCTGCGCCCGCAGCTAGCTCCCCCGCCTCTG
CGGAGAGCGGATTCAAGTGTGGCTTTGCGTCCGCTTCCCATCCACTTACTAGCGCAG
GAGAAGGCTATCTCGGTCCCAGAGAAGCCTGGACCCACACGCGGGCTAGATCCAGAGGT
TGGTGGCGGGGCGCAGGGCCCCCAGGTGGGGGGGGCGGAGCGGGAGCGGGGCCACT
TCAATCCTGGGCAGGGGCGGTTCCTGACAGGTATAAAAGCTGTCCGCGCGGGAGGCCAG
GCCAGCTTTGGGGTTGTCCCTGGACTTGTCTTGGTTCCAGAACCTGACGACCCGGCGACG
GCGACGTCTCTTTGACTAAAAGACAGTGTCCAGTGCTCCAGCCTAGGAGTCTACGGGGA
>EP74093 (+) Hs TD02; range -499 to 100.

TTACATGATATTTAGGTCAGAAGAACTCTGATGATTGAATGGAAGTGGGCTTTGAGCATG
TACCCAGACTTTATTATACAGTTAATTTCCCTAGAGGTGTTAAATTTTCACTTTTGGTCT
AGAAGCTGTAAGAATATTCAAATTTGAGAGAATACATATTTGTTTTTACAAGCTCATCA
TCTTATGTATCTAATACTATGCCAAATGTTTTCTTGGGATTGAATAAATGTAATTTTTT
TAACTTGGCCTCTGTTGATTCAATTGGATGTTTGTACTTTGAATATAAAAGCAGAATTG
GCAAGTCATACAACTCAATTTGGCAGATCACTCACTCTTAGCAAATGAACTGTGCCAAC
ATAAATCCACTCTAAAGTTTACAGAGGTTCACTTCTGTACCAATGGAAATGAGAAGTTAG
CTAAGAGTACAAGAAGCATGCTGATTGGCTGATGCAGGGTAAGCAGGCTACATAAAAGGC
AGCTGTAGAACATCTGGGAAGGTCAATGATAGCATCTGCCTAGAGTCAAACCTCCGTGCT
TCTCAGACAGTGCTTTTACCATGAGTGGGTGCCATTTTTAGGAAACAACCTTTGGGTG
>EP74094 (+) Hs PPP1CA; range -499 to 100.

GCCTGGGCGCCACAGAGACCCACGAAGAAGTGGGGGTCTCCGTGAATGCGAGGTCCAG
GCTGTTTTTATCTCTTGAGCCTCAGTTTCTTTCTGCACTTGAGAGCTTAACCCTCAG
TGCTTAGCAGCCGTTATTAACATGTTCAACACCTTCCACCCAGGGAAGGGGTGGGAA
AGTCTGTTGGGCTTTTGAAGAGAAAAACAACCTTCCACAGTCTTCCGGCCCCACATCCT
CTGAACAGGGCTGGGCGCCTCTCTGGGGCGTAACCAGCTTGGTCACGCCCCGACAGAC
CCCGCCCCCAGCCCGCCGCGAGGCCCGCCCCCGGGCCGCGCGCTCACGTCCAGCG
GGGGCGCTAGAGGGCGGGGACTGGGCGGGGCGGGCCCGGGAGGCCTGGAGGCGGGGCCG
CGGGCCGGGGGCGGACTGGGGCGGGCGGAAGGAGAGCCAGGCCGGAAGGAGGCTGCCGGA
GGGCGGGAGGCAAGGAGCGGGCCAGGAGCTGCTGGGCTGGAGCGGGCGGCCCATGTCC

GACAGCGAGAAGCTCAACCTGGACTCGATCATCGGGCGCCTGCTGGAAGGTTGGTCGGGG
>EP74095 (+) Hs AGER; range -499 to 100.

AATAAAGAAATTTCTTTTTTCCCTGGGTTTGTGAGAATTTTTTCAAAAAACATGAGA
AACCCAGAAAAAATGATTTTCTTTACGAAGTTCCAAACAGGTTTCTCTCTGTTC
CCAGCCTTGCTTCATGATGCAGGCCAATTGCACCCTTGACAGACAACAGTCTGGCCTGA
ACCCTATTGATGCACTTTGCGCAATCAAGATGGGGCTCCAGTGGGTACACAGGCAGCCC
TGATGGACTGATGGAATAAATAGGATCGGGGGCTCTGAGGAATGAGACCCTAGAGGGTA
CACTCCCCATCCCCAGGGAAGTGACTGTACCCAGAGGTGGTAGTACCCAGGGGTGGGG
TGATAATTATTTCTCTAGTACCTGAAGGACTCTTGTCCCAAAGGCATGAATTCCTAGCAT
TCCTGTGACAAGACGACTGAAAGATGGGGGCTGGAGAGAGGGTGCAGGCCCCACCTAGG
GCGGAGGCCACAGCAGGGAGAGGGGCAGACAGAGCCAGGACCCTGGAAGGAAGCAGGATG
GCTGCCGGAACAGCAGTTGGAGCCTGGGTGCTGGTCTCAGTCTGTGGGGTGAGCCACTC
>EP74096 (+) Hs PP; range -499 to 100.

TTACGACGGATCAGAAAAATGCTCACCTTTAAGACCGCAAGCAGAGCCTGTCTGGGGAAG
CAGGTGACTTATCAACGCCTTTTGAGATAAGGAATAGGACTGCGGGGAGGAGTGTGTGAG
AATCAAAGGTGAGTTCCCTGTGTGCGTGGTCGGCGGTCAACTCCTAGCTAGTCCAAGCTT
AGAGCCTGCGCATTTGCCCTCCCGGGTCAGAGCCCAAAGCCGAAGGAACAGAACCAGCGC
CGGCGGCAGCCACGTGGCCACGCTCTGAGCCCTAGCTGCCATCGCGGAGGCTGGGCCCG
AGGGGCGGGGCTGGGGAGTGCAGACACCCGGGCTGGCGGAGTGCCTGCGCACGGGGT
TGGCCCGGGGGGTGGGAACACTAGCAGAGCCGCGTTAAAGGCGCTCCCCGCCCGCCC
GCCGGTCCAGTCTCGCAGTGCAGGCGTGGGGCTCTCTCCTGTGAGTCCGCGCCGCG
TGCGGGCTGGTGGCTCTGTGGCAGCGGCGGCGGAGGACTCCGGCACTATGAGCGGCTTC
AGCACCGAGGAGCGCGCCGCCCTTCTCCCTGGAGTACCGAGTCTTCTCAGTGAGTGT
>EP74097 (+) Hs CAPZA1; range -499 to 100.

CGCACCATTAACCTCCAGCCTGGGCAACAGGGCAAGACTCTGTCTCAAAAAATAATAATA
ATAAAACCCAATCTGAATAGACTTTTCTCAAGAAACATATAAGTGGCCAGCAGATATATG
AAAAAATGCTCAACATCACTAATCATTAGGGAGATGCAAATTAATCACAATGAGCTAT
CATCTCACACCTGTGAGATTGGCTTTTCTCAACTAGACAAAAGACAAGTATTGGCAAGGA
TGTGGAGAAAAGGGAACGCTTGTACACTGTTAATGGGGATGTAAATTAGTACAGCCTTA
TAGAAAATAGTATGGAGGTTCTCAAAAACTAAAAATAGAATTACCATATAATCCAGCC
ATCCTGTTTGTGGGATTTACCCAAAGGACTTGTAAACAGTTTGTCTAAGAGATGTCTGCA
CTCCCATGTTTATTGAGAACGATTAACAATAGACACGTTAAGGAATCGTCTTTTTTAAG
TGTCAAAATATAAATGTTGAGAACGCCCAAGATGGCCAACCTTCAATGATTGTGTGTTGG
ATAAGGAGAAGGTATGCATAGCTGCTAAATTCATCACTATGCACCCGAGGAGAATTA
>EP74098 (+) Hs CDK7 P1; range -499 to 100.

CAATCTCCTGTGATGTAGTTTATTATTTTCCATTTTACCGAGTAGAAAACTGAGGACT
AGAAGCTGATTTCCACAGCACGTTTCAGTTGAGTTGGATTTTGTCTTCTGGGCCTGCTT
CTTCATAAAGGGACTGGACTAAGAATACTTTGACCAGCCCGTAAGAAGTTGGCACTCGT
CTCAGTAATCTGAGATAGCAGGGTTTGGCGTCCATAGCAACCACGGCGACAGGACGCGCT
CGAGCAAGAACCAAAAAGCGAGAACAGGTACAAGGCCAACTTTCTACATTCACAGACAC
CTACCAAACCCGAACATGGAACACCAAATTAAGAACGCTGACCAGTTCCTGGTAATGTAG
AAAACACCCAAGTTAAACCGCAACAGAGTGACACAGCACCATTGAAGATGCCCCACTT
CAGGCACCGACAGGCGTCACGTGACGGGTGGGGAACGCCAACCGCCTGGGCCTAGCGCAG
CTTCTCCGCCACACGGAAGTGAGGCGGGGATACTAAAGCGACGGAGCCCGGTGGACG
GAAGTGGGTGTTGGAGGCTTAAGGTAGCTTTAAATTCGTGTTGCTCTGGGAGCTCGCCC
>EP74099 (+) Hs CDK7 P2+; range -499 to 100.

TTGTTTTCTGGGCCTGCTTCTCATAAAGGGACTGGACTAAGAATACTTTGACCAGCC
CGTAAGAACTTGGCACTCGTCTCAGTAATCTGAGATAGCAGGGTTTGGCGTCCATAGCAA
CCACGGGACAGGACGCGCTCGAGCAAGAACCAAAAAGCGAGAACAGTACAAGGCCAAA
CTTTCTACATTCACAGACACCTACCAAACCCGAACATGGAACACCAAATTAAGAACGCTG
ACCAGTTCCTGGTAATGTAGAAAAACCCCAAGTTAAACGGCAACAGAGTGACACAGCAG
CCATTGAAGATGCCCCACTTCAGGCACCGACAGGCGTCACGTGACGGGTGGGGAACGCCA
ACCGCCTGGGCCTAGCGCAGCTTCTCCGCCACACGGAAGTGAGGCGGGGATACTAAA
GCGACGGAGCCCGGTGGACGGAAGTGGGTGTTGGAGGCTTTAAGGTAGCTTTAAATTCGT
GTTGTCTGGGAGCTCGCCCTTTTGGCTGGAGTGGGGCTTTACGGCGCCGGATGGCTCT
GGACGTGAAGTCTCGGGCAAAGCGTTATGAGAAGCTGGACTTCTTGGGGAGGGACAGGT
>EP74100 (+) Hs SFN; range -499 to 100.

AGTGCTTGGGAACTCCATGGCCCTACCTAAACATGAGTTATCCTCACCTGAACCAAGGG
GGGAAGTTACCTGGCAGGATTAGGAACCCCATCTCCTGAACCTTTATGGGCTCTGTGCA
GGCTGAAGCAGCCAGGGGCTAAAGCCGTCTTAGCCCTGGAAGGGCACTGTGAAAGTGG
ATCTGATTTGAGAAGCCGTTTCTGATGTGGGCAGCCATGTGATGCCAGCCCCGAACAAG
AGGGGGCAGCCTGGAGCCTGGAAGGTGCCAGTGCAGGTGGGGCCACGCCAGATTTCT
CCTGCTGACTGTTCTGATGATTCACCCCATCCAGCCTTTTACCTTTACTGCAGAG
CCGGAAGGGTGTGGGGAAGAGAGGAGAGGAGGCAGGTCTTGGGCCCTGGTCCCGCCC
CTGCTCTCCCAACCTTCTCTGGGCCTGGCCACCCAGCCAAAAGGCAGGCCAAGAGCAG

GAGAGACACAGAGTCCGGCATTGGTCCCAGGCAGCAGTTAGCCCCGCCGCCCGCTGTGTG
TCCCCAGAGCCATGGAGAGAGCCAGTCTGATCCAGAAGGCCAAGCTGGCAGAGCAGGCCG
>EP74101 (+) Hs RPL24; range -499 to 100.
CTGACCAACATGGAGAAACCCCGTCTCTACGAAAAATACAAAATTAGCCGGACGTGGTGG
CACATGCCTGTAATCCCAGCTACTAGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCTGGG
AGGCGGAGGTTACGGTGAAGCCAGATTGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCAACAAGAGC
GAAACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAGAGAGGAGAGACAGAGACAGAATGACTCATAAACC
AACTGTCTGACTGCCTTTTTTGGCAGGCCCTCTGGGCCCGAGAACCCTCCAGCGCCTCTGG
ATGAATTGCGCCAGAGGAAGTCAGCTGTCAAGGAAAACGAGATCTTTCGCTCGCGATGA
TTACGTCATCAAGGAGGGCCAGGAGCATCGAAGGATATTGGGGAGGAGATTTCCGGCCCC
CATCCCCGCAGCGACCTTATAAGGTCTCTTCCCATGATTCTCTCTTTCTTTTCGCCATCT
TTTGTCTTTCCGTGGAGCTGTGCGCATGAAGTAAGCACGACCCGTGGTTCCCAATCCGCT
TACATCCTCGGGCAGAACTCTCTGTCTGCTCCCTGGCATGGCTGTAGACACCCTCCCTG
>EP74102 (+) Hs TCEB1 P1; range -499 to 100.
GAGAGGAAATGAGGCCAGCCGATTGCGTAGTCGTTGCTGTGCTGGCTCTTCAGCACGCA
CAGCAACTTTTACCAGGGACAGATGCTGCTTCATAAAGAGTACGATCTCGTTAGCAAAAG
AAACCGCCCTCCCAAGTTTCAATCTTTTCCCTCAGCAGTCTCCACCTCCAGGCGTAACCCT
AAATGAGAGGTACGGACAGTCTCTGTAAACCACCAAAATCTTAACACGCAAGTGCGAGAAAC
TACAAGTCCCAGGATGCAGGGCTGCCTCGTCCCAACGCCGACGGTATCCACCAGAGAAA
CTACAAATCCCAGAATGCAGTGCTCTCTCGGACTCCCGAGAGCCTCTCTAAGGATGCGTC
TTTACAGCAATTGGATCAGGGTCTGCGCTGCATGCTGGGAATCCAGAAGAGCTAGACTCG
GATTGGTCGAAATTTGCCGGTTGCGTTCATAGGCTGGCCTACTATAGGGGAAAAGAGTAG
GGCGCTACGCCCTACCTCCAGACGGAAGTGAGCGACACACTCTGCGTCTCGCTCACCA
GGTACGGATCTCCCGCGCTGCGCGAAAGCGGCTCTGACCCAGCGGAAGTAATTCTTTTCG
>EP74103 (+) Hs TCEB1 P2+; range -499 to 100.
AGAAACCGCCCTCCACGTTTCAATCTTTCTCAGCAGTCTCCACCTCCAGGCGTAACC
CTAAATGAGAGGTACGGACAGTCTCTGTAAACCACCAAAATCTTAACACGCAAGTGCGAGAA
ACTACAAGTCCCAGGATGCAGGGCTGCCTCGGTCCCAACGCCGACGGTATCCACCAGAGA
AACTACAAATCCCAGAATGCAGTGCTCTCTCGGACTCCCGAGAGCCTCTCTAAGGATGCG
TCTTTACAGCAATTGGATCAGGGTCTGCGCTGCATGCTGGGAATCCAGAAGAGCTAGACT
CGGATTGGTCGAAATTTGCCGGTTGCGTTCATAGGCTGGCCTACTATAGGGGAAAAGAGT
AGGGCGCTACGCCCTACCTCCAGACGGAAGTGAGCGACACACTCTGCGTCTCGCTCAC
CAGGTACGGATCTCCCGCGCTGCGCGAAAGCGGCTCTGACCCAGCGGAAGTAATTCTTT
CGACTGCCCCGGAACCCACCGGAGCAGGCTGGGGGTGGGGGGCGGCCCTGGGATAG
GGGCTGTGGCAGTACGCGGGGACCCGGCTGCGGTGGCTGCGGGACTGACGAGTGAGTCTC
>EP74104 (+) Hs ACPP; range -499 to 100.
TGCGGTTAGGAGTTGGAGACCAGCCTAACCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAA
TACAAAAATTCGCCGGGTGTGGTGGTGACGCCTGTAATCCCAGCTACTCAGGAAGACTG
AAGCAGGAGAATTGCTTGAACCTGGGAGGCGGAGTTTGCAGTGAGCTGAGATTGTGCCAC
TGTGCTCCAGCCTGGATGACAGAGCAAGACTCTGTCTCAAAAAAAAAAAAAACAAAAACA
AAGATAAAAGTAACTGAAAAACAAGGATAGAAATGTCTGCTAACATGCTCTGTGACCTTG
ATCAACAGCTTTCCCCGCTCTTGGCCTTGGTGTCTTAATTAATGGGGAAACTGTGATC
TCTCTCAGCTCAAAATTTACATGACATTATTTACATACCAAACTGCCCTACGTTCTCTG
GAAACTTTACTACTTATGAGTGTGGCTCCTCCTTCCCTTTCAATCCCTTAATTAAATAGC
TTCCCCTCTACAGGCTTTTGAAGTGGTAGCAGTTCTCCTAACTCCTGCCAGAAACAGCT
CTCCTCAACATGAGAGCTGCACCCCTCCTCCTGGCCAGGGCAGCAAGCCTTAGCCTTGGC
>EP74105 (+) Hs PRKRA; range -499 to 100.
GCGTATATATCCGGGGTCTCAAGCTTCAGGACCAGGCCCGGGAGACTCCCTGGAATTCTG
CCTTCGTAATTTTAGAATCTTTTCTTAAAGTGACCCAGCCCCCAATCCGTCCTCCCCAC
AAAGGCTTAACCTTAGGCCTAACGACCCTAGACCCACGCCGGAACAATCCCTCTAATCCC
TCTCTCCCGGAAGAAACGGCCTCTGCTAAGGACAAAGAACTGCGGCCTAGGGGCCAGT
TACTACAGGCTGGTCAGGGCCGGCAGGGGCGGGCGGAGAAACCCCGGGAGCCCAATGC
CTGTGCCCCACGCGGAGCGGGGCGGAGCCGGGCGGAAGGGGGCGGACCCTGGAAGGGAC
AGGGGCGGAGTTGGGCCGGGACGGAGGCCCGCAGAGGAGCAGCGAGGGGGCGTAGCCGGA
GCTACGGCACCAAGGCTCCGCCCCACCCTGCCTGCCCCCTCGCTGGAGCAACGCAAGCA
GGAGGCGGGGAGTCGGAGGAGGTGGCGGCGCTGGAGCTCTCCGGGGACAGCGACCC
GGGGAGCGAGCAGTCGCTCCGACCGCTCTTCTCCAGCCGCTGAGCCGTCCCTTCTCG
>EP74106 (+) Hs PAH; range -499 to 100.
CAGCGTTCACGTGCCCTCTAGCTGTAGTTTTCTGAAGTCAGCGCACAGCAAGGCAGTGTG
CTTAGAGGTTAACAGAAGGGAAAAACAACAACAAAAATCTAAATGAGAATCCTGACTG
TTTCAGCTGGGGGTAAGGGGGGCGGATTATTCATATAATTGTTATACCAGACGGTCGCAG
GCTTAGTCCAATTGCAGAGAACTCGCTTCCCAGGCTTCTGAGAGTCCCGGAAGTGCCTAA
ACCTGTCTAATCGACGGGGCTTGGGTGGCCCGTCGCTCCCTGGCTTCTTCCCTTTACCCA
GGGCGGGCAGCGAAGTGGTGCCTCCTGCGTCCCCACACCCTCCTCAGCCCCCTCCCTC
CGCCCCGTCTGGGCAGGTGACCTGGAGCATCCGGCAGGCTGCCCTGGCTCCTGCGTCA

GGACAACGCCACGAGGGGCGTTACTGTGCGGAGATGCACCACGCAAGAGACACCCTTTG
TAACTCTCTTCTCCTCCCTAGTGCGAGGTTAAACCTTCAGCCCCACGTGCTGTTTGCAA
ACCTGCCTGTACCTGAGGCCCTAAAAAGCCAGAGACCTACTCCCAGGGAGCCAGCATGT
>EP74107 (+) Hs PACSIN2; range -499 to 100.

GCTTTTGGCGCAAGTCGGAGGAGCTCCTAACGACATTAGCTTCTTTGAGTCCCTTGGGAG
AGGAAACTTTCTGAAAGACTGTAGGATTACCTTCCCTGAACTTCCGGTCAGGTGCGGTGC
TGCCCTGCCGCGCCCTCTTACCCTGGATGCCGACGAAACCGCAAACTCCAGCCCCGGG
AAGCGCTCTCAAGGACCACCAGCGAGCGGCTTTGGGAGAGTAATCTGCGCCACCCT
CGCAGCCCATTAATAGGCACTCCCCGTTTGATTGACAGGAGAAGTACCAATGCGCGTC
CTGGGGCTTTCCCTCGTCCTACGCGGGGTGAGCCGCTCTCTACTCATCTGGCCCAATC
GGGGGCGCCGGGGAGGCTGTGGGGCGGGGCTCGGTGTCCGGTAGCCAATGGACAGAGCCC
AGCGGGAGCGCGGGGGGCGGTGCGGTGCGGGCTGGCGGCGAGAAGCGGCCGAGGGGTCTG
GGCAGGGCTGGGCACTGCTGCCGGAGCAAAAGCGGTAGCGGGAGCCCGGCCGAGCTGGG
TCTGGAGACGCCGTGGCAGCTGAACGGAGTGTGCGACGGATTGGGAGGTGAGTGGCCGC
>EP74108 (+) Hs EIF4EL3; range -499 to 100.

GCGCTGATACAATTGCTGGACTCAGGGCTGCCACAAACCCTCCATTTGTTTTCAGAATGC
CCTATCTCGAAAGCGTAATAAAAGAGTATGCCATAGTACAGTGGCGCCGCGACCGACA
AAGGAAAGCCTCCGGGAGGTCAAAGAGATACCAGAGTGCCTCCGCACTGGAGGAAG
AGGAAGGTTTTTACCAAGCAGCGAGTCCAGAGCCGCGCGTCAACGACGCGGTGCTGCC
TTTTTTCCGAGCCGCTGCGGGAGGGGGCCAGGACACGCTCCCTTAGGAGAGCGGGCGGGT
CACAAGGACCTGGACAGAGGCGAAGTGAAGCCAGCAGCAGCTCCGCGCTGAGTCCAG
CCCTCTGCGCAGCCGCCCTGAGCTGGCGTCCCGAGATAGCCGCTTCCAAACGGGCCTGC
GCGCCGACGTTCCGCTGCGCCCCGCGCAAAACCGGAAGTACCGGGCCCAAGGCTGAGGG
ACCCGGTGGAGCGGAAGTCACTCCCTGAGGCAGTGGCGACAGCGGCGGCGAGAGGATGAA
CAACAAGTTCGACGCGTGAAGTGGCTCGTGGCGCCCCCGGGGCCCTTCCCCGAACAGTT
>EP74109 (+) Hs DYT1; range -499 to 100.

GGGACACAGTCTTGCTCTGTCTCCAGGCTGGAGTGCAGTGGTGAGATCTCGGCTCACTG
CAATCTCCGCTCCTGGGTCAAGCGATTCTCATGTGTGACGCTCCCCAGTAGCTAGGGC
TACAGGTGCTACCAACACACCCGGCTAATTTTATATTTTAGTAGAGACGTGGTTTCAC
CATGTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCGCCCCCTCAGCTCC
CAAAGGGCTGGGATTACAGGCAGGAGCCACCATGCCTGGCAAAAATAACGTCCATAAACA
AAAACACGTGGCCAACAGGGGCGGAGCAGAACCAGTTCGGAAGCAAAACAGGGCTTT
GTACCGAACAAGATGGCGGCCGCGCGTGGGAGGAGGGCTGCCCTGAAGAAAGATGG
CTCCGCGAGAGGAGGAACCCGGAACGCGTGGTCTGGCGGCTGCACCGGTTGCGGGTGGC
GCGAGAACAAGCAGGGTGGCGCGGGTCCGGGCATGAAGCTGGGCGGGGCCGTGCTGGGCC
TGCTGCTGCTGGCGCCGTCCGTGGTGCAGGCGGTGGAGCCATCAGCTGGGACTGGCCC
>EP74110 (+) Hs UBE2G2; range -499 to 100.

CCTGAAACCCGGCGGCTGGGGACGTTGGAATGTTCAAGTGCATACCCGACCTCAGGCC
CCTTGTCTCCAGCCCCAGACCGCCCCGCGACCATCTCCCCACCCCCGACCTCTTATCT
CGTCCCCGCCCTGTCTCCCAACCTCCATCTCCCTCCACAACCCCCGTCTCCCGCCC
TTCGGCCACGCGCGGCTGGCACAGAACAGGCAAGTAGCGCACACACACTGGAACAGGCGC
CACCGTTCAGGAAGTCTCTACAAGACCAGGACCCTGAGGCTCTGGAAGTGCCGGGACCG
AACCAACCCCGCAGAGCGACTAAGGCGAGGGCAGGAGCCAAGAGAATCGTAGCCGCGGTC
GCGGGTTGAGTCCCAACACCCGACAGCGCGCTCGGCGATCGCGCACGCGCCACGCCC
CGGAAGAGTTCTGGGCCCGCGACGGTGGCCCGGAAGCAGTCCCGGTGTCGGGGCAGGA
GGCACGCGCGCGGTGAGGCGAGGTGCTCGGCGCAGCTGTTGCGGGGCCATGGCGGGGA
CCGCGCTCAAGAGGCTGATGGCCGAGTACAAACGTGAGTCTGGGGACCCGGGCCGTGAGC
>EP74111 (+) Hs BIN1; range -499 to 100.

CGGGCACCGGGCGGGAGGTGAGCCCCTGGAAGAGGAGGGGCTCCGGGCGGTTCTCCCA
GCAGCCGCGGCTCCTCTGTTCAAGGCGCGCCCCCTTCGCGCACTTTCTCTTGATTTC
GAAAGCACTCCTCTCTCCACCTAGTCTCCTTTCTGGGTTGCAGGAGATTACTGCTTGC
GGGAAGACCAAGACGCCAGGCCGCGGATTAGTCCCCGCCCCGGGGCGGTGAGCTGGA
GCGTCAGGGGAGTCCGCTCGCCGACGCCAGCGCGCGCGGCCCTCCCTCTCGCG
GACCTGGCGGTGCCGGCGCCGAGTGGCCCTTTAAAGGCAGCTTATTGTCCGAGGGG
GCGGGCGGGGGCGCCGACCGCGGCTGAGGCCCGGCCCTCCCTCTCCCTCCCTCTGT
CCCCGCGTGCCTGCTGGCTAGCTGCTGGCTGCTCGCCGTCGGCGCAGCTCCGCC
TCCGTCAAGTGGCTCCGCTGTGGGTGCGCGGCGTGGAGCGGCGAGCCGCTGAGACGCGC
GGCCGGGGTGGGGGCTGGGAGCGCGGCGCAAGATCTCCCCGCGGAGAGCGGCCCT
>EP74112 (+) Hs MRPL45; range -499 to 100.

GTGCCACCACGCCAGCTAATTTTGTATTTTCGTATTTTGGCCAGGCTGGTCTCGAAC
TCCTGACTTCAGGTGATCCACCGGTCTCGGCTCCCAAAGTGTGGGATTACAGGCGTGA
GCCACCGCGCCCGGCTCCTTTTCTTTTTTAACTAATGGAATAAACGGCAATGTGCCAA
GCATACAGCAATGCCATTTCCCGGCTTCAGAAAGCCTCGGGCGCAGGCGCAGCTCGCGT
TCAAGCGCTCTCTGCTGGCGCGTGACAACAGTTGGTTCCACCCTACGCCCAACATTGTC
TCCCTGCGCACGCGCGGCGTACTCCGCCCGCCTTACTCCACCCTCCCCCACTCCCGCGA

GCACGTGCGCGTCTCTCGGGCTCACATTTGCGGAGGGCGCGCTCCCTGGAAAATTCCA
CTCCTGTGCTAGCTCCACCCTATGCGGCTTTTCTCTACCCGACGCTCTTCACTCTCAGC
TCCCTTCCCGCGCGCTTTGCGGGAACAAGATGGCAGCCCTCATACCTCAAGGGTTCTCT
TGTTTATCGAGGGTTTTGGGCTGGTGGTCTCGGCAGGTGGGTAGGGACGGGGCCGATAGG
>EP74113 (+) Hs TARDBP; range -499 to 100.

ACAAAGTTATTGTTTCCAGGTTTGGAGGTGGGCTGGCGGAGGGAGGAGAAGACGCACTAG
GTTGCCTTTTCAGAAAAGGGGTCCAGGCCTTATCTGCCTCCAGGTGGACTCGGCCCCGGG
ATCCCCGAGCCCCGCCCCCTCAGGCCCGCCCCGCCCCGCTCGCTGGCCGAGACTCTG
TGCTACTCTCGCGCGCTTTGAAAGTGCGCGAGCTCCGACCGAGACCTGGGCCGGCGGTTG
GTCGGCCGAAACCATCTGCTACGTTACGTGGGGGAGGTGAGCTCCTATACAGCCACACT
TTTTTCAATCTTCAGCTTTTCAGGCCTAGGTCCTGGTTTTATTTAGCTTTCAGAGCTTC
TCTGTAGGCTTGAATTTCCAGGAGGCAGCCCGAGTCCCTGGGGAGAGGGTCATCGTGGCT
CTCGTCGGTGCTTCCACCTCTGGACAGGCAACCGGTGGGAGAGGACGCCGTGGGCGGG
GGGAGGAGGCGGCCCTAGCGCCATTTTGTGGGAGCGAAGCGGTGGCTGGGCTGCGCTTGG
GTCCGTCGCTGCTTCGGTGTCCCTGTGGGCTTCCAGCAGCGGCCTAGCGGGTGAGTCG
>EP74114 (+) Hs MAD2L2; range -499 to 100.

TTTTTTTATTTTAAAAATTTACCCGGGCTTGACAACCGGTACAATCTGTCTCCCCCT
GTTCCCGCCCCGAGCCAGAGGATTCGCTTTTGCCTGGGAGCTGCAGGGATGGTGACTC
GGGCTAGCTCAGATGTGGCTGCCGTTAGTCCCCAGCTGCGCGCTCCCCGTCCTCCCCA
GCCCTCTTCGGCGCTGTAAAGCGAGAGAAATGCCCTCGGGGAAGATATGTAGCGAT
CCAATGGAACGTGGAGATCAACGTTGTGTTTTCTTCGCGCCACCCGAAGTTGAAGGGAG
GTGGCGCGGCGGGTCTCAGCCCTCCCGGACGCCGAGGCCCGGCCCGCCCCCTCGGAGA
CCCCCCCCCGCATGCGGAACCGCCCTCTGCGAGGCCGTTTGGGCCGTGCGGGAATGGG
CGTGGCCTGGGCGGGGCGGGCTAGGACCCACCGAGCGCCGTGAACGTACCGAGCGG
CGCCGAGGCCCGGGTTGAGCGGGAGGCGCGATCGGTCCGGTGGTGGCTCCCCGCGGCG
GGGCCGGGCCGATCTCGGGCGGGAACCGAGCGCAGAGCCGGTACTGGGGGAGGGGAGAG
>EP74115 (+) Hs ZNF265; range -499 to 100.

TTTATGTATATATAAAATAGGTTTCCAAACGACATCCCATGTGTATGAAATAACAGAA
TTTTATGCCTTATTAATAATTTCTCTAAACACTTGAAGAGCCCGAGCCGCCTCTTACC
CTAAACGAACCCACGCCCCGTAATTGATCAGTCACTTCCGCTCCACCTTTCCAGTCC
ACCTAAGGAAGCGGAAGTACTTTACTCTTGGGTCTCCACCTGTAGGGGGCTCTCCGAG
GCTTCTAGTGCCACGAAGGCCCTGCTGCTGGGTGTCTTATGGCGCTGTGAGTTTAGT
TCTAGAAAAGATATTTGTATTTTAACTTTTCCATCTAACAAACAGTAGCACAGGCATCTT
AGTCTGGACAACAACGTACAAGCTGAATTCCTGGCTAGTTCCCTCATTATCAAACCCGTA
CACAGTAGTAGCGCGAGTACGGCAGTGTGGGGACAGCCCCGAGTTGCCGAAAGTCCCCG
GCCCGTTTTCTCTGTGAAGACATAGCTGCGGGTGGCTGTGCTGGTGGCGTTCAAGATG
TCGACCAAGAATTTCCGAGTCAGTGACGGGGACTGGATTTGCCCTGACAAAAAGTGAGTT
>EP74116 (+) Hs SAA4; range -499 to 100.

TTATTCCTGTCCTTGATTCTCCAGAATCATTACCTCATCCCATGAATGGTACAGTCAA
GTCTTGCTTGTTCTGTGTCCTTACATTTCTTAGAGAGAAGTCACAAGAGACAAGCAAACA
TCTCTTTTGCTAATAATATTGATCACTTCTACAGCATAATATCTATGTGCAATTTTTTG
GGAAGACCTCTACTAAACAGTTAAGAATGGAAGACACAAAGAGAAGAAAGTGAGAGAA
GACCTCTGTCTTCCACACTGGATTTTGCAAATACAACCTTTCTGTGATACAGGAAACTA
AAAAGAGGGAAAAGTGGAATTAAGAAAAACTGCCAGAAAAATAATACCTTGATGACCCA
ATTTGGAAAACACTTCTAGATAAGGAAACACTATTACCCAATATGTTAATTTTTAAAT
ACCCAAAGAATTGAGCAAAAAGGACTTTGGCAAGGCAGGTTGTTGGATTTAAACCGTTC
TCCCATTAATGCCAAAGCCAGCAGAGGTACCAACTATAGCTCCACGCCAGAAGATACCA
GCAGCTCTGCCTTTACTGAAATTTATCTGGAGAAAGGTCCACAGGTGAGGTTTCTTCCA
>EP74117 (+) Hs APCS; range -499 to 100.

TTAGTCAAAGTTGAAGGCACTTTTAGGGTCTTCAGCAGAAAGCAGAATCCTAGAATATC
CTACAAATACAAGACAACCTTGAGAACTATAAAAGAAAGAAAAGGCCTTGTTCCTATAGCC
CACAAGAGGGCTGAGCTCAGCGATACACTCTGTGTGGCTCAGGAGCTTCTGGCAGAGCAC
AGAGCCATCAGAGAGGGGGCCAGAGAGCAGAGAGAGGCTCTGCTGACATGGCCAGCCCA
GCGCCTCATCCCATCCATAACCTGCTGCCCTGCAATGACTCTTCCCAGCAATAAAAT
CTGGGTACAGGAGTTGGAGCTCTAGCCATCACTTGTCTCTAATAAATAACTCCCATTGA
TTTTCCAGCTCAGGGCTCACCCTCTTACCCTAAGCGCCAGGAGGCAGACCTGGAAAA
TCACTCACATATTATTGGTGTCTTCTCCCCCATCTCACCCAAGGTGCATATAAACCC
TGAATAACCTGAAGTCTAAGGCATGAATATCAGACGCTAGGGGGACAGCCACTGTGTTG
TCTGCTACCCTCATCTGGTCACTGCTTCTGCTATAACAGCCCTAGGCCAGGAATATGAA
>EP74118 (+) Hs KRT5; range -499 to 100.

ACCCTGCAGCAACCTGCTGCCTGGAAAAGTGAAGAGCAGATCACTGGGGAATCGTTTGC
CCCCCGCTGATGGACAGCTTCCCAAGCTGGAAGGGCAGGTGCTCAGCATGTACCGTACT
GGGATGGTTGTCAATACTCTGGTCTGTAAAGAGTCCCCAGGACACTGGCCATGCCAATG
CCCCCTCAGTTCTGGCATCTTTTTGGGCTGCTCACAGCCCCAGCCTCTATGGTGAAG
ACATACTTGCTAGCAGCGTCACCAACTTGCTGCCAAGAGATCAGTGCTGCAAGGCAAGGT

TATTTCTAACTGAGCAGAGCCTGCCAGGAAGAAAGCGTTTGCACCCACACCACTGTGCA
GGTGTGACCGGTGAGCTCACAGCTGCCCCCAGGCATGCCAGCCACTTAATCATTAC
AGCTCGACAGCTCTCTCGCCAGCCAGTTCTGGAAGGGATAAAAAGGGGGCATCACCGT
TCCTGGGTAACAGAGCCACCTTCTGCGTCTGCTGAGCTCTGTTCTCTCCAGCACCTCCC
AACCCACTAGTGCTGTTTCTTGTCTCCACCAGGAACAAGCCACCATGTCTCGCCAGTC
>EP74119 (+) Hs HLA DQA1; range -499 to 100.

CGTCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCTGGGCGTGGTGGCAGGTGCCTGCAGTCCCAGC
TACTTGGGAGGGTGAGGGAGGAGAATCGCTTGAATCCGGGAGGCAAAGGTTGCAGTGAGC
CGAGACCTTGCCATTGTACCTCAGCCTGGGTGACAGAGTGAGACTACGTCTCAAAAAA
AGAAAAAGAAAAAGAAAAAGGAAAAAAGAAAAACACCCATCCCTCTTGCAGCTGGCAGA
CATGCACACACCAGAGAAGATTCCAATTTAATGTCTCCCTTTATTATAGAACAATTCC
TCAAGTCCACTCTGAGTAGAGGCTGCATCACAAGGGGATTGCCCGTCTCCTTCCAGGGC
TCTTAATACAACTCTTCAACTAGTAAGTGAAGTGTACCATAGGGGATTTTTCTAATTG
GCCAAACCTGACTTGGCAGGGTTTGGTTTGGGTGTCTTCAGATTTCTTGTCTTGAGGT
CCTCACAATTACTCTACAGCTCAGAACCAACTGCTGAGGCTGCCTTGGGAAGAGGATG
ATCCTAAACAAGCTCTGCTGCTGGGGGCCCTCGCTCTGACCACCGTGATGAGCCCCGT
>EP74120 (+) Hs NDUFA10; range -499 to 100.

TCCTTGACAGGCGCCCCGCGACAGGGGTCCACCCCGTCCCTCCGCTCTCGCCCCCTCT
TTTTCCACTTTCCCTCCCCAGCGAGAAGTTCTGAGAGCTAGGAATGTTCTTAGGAGGT
CGCTTTGACGTCCACACCGCGCTGGGGGATTCTGCGGGGAGCACAGGACCCTGGGACGA
GACGCAGAAGTCGCTCCACGCCCTGGGCGGCTCAGCTCCCGGACACCGCAGCAACTCA
GAACCCAGGCAGGGGCCGGGCAGCCAGCATGCTGCCCCACGTTACCTCCAACCTCCAC
CTCTCGGCCCTCGCCCCAACCCGAGGACCCTGGCAGCGCACTGGCTGTCTCCGCGGAAG
CCCCCGAGGGCCTCGGCGCGGCCCGCCCCCTGGAAGGTTCCCGACAGGCGCCGCGGGCA
CCCCGGCCGTGACGTACGCGCAGCGCGCCGCGCGAGAGAGGGCCCCGTGCGACCGCG
TCCCTTGGGTCTTGATCTGAGCTGACCGGGTAGCCATGGCCTTGCAGCTCTGAAGC
TGGCAGCGACGTCCGCGTCCGCCCGGGTCGTGGCGGGCGGCGCCAGCGCGTGGTGAGCG
>EP74121 (+) Hs NDUFB2; range -499 to 100.

GCCAGTGGATCGAATCAAGCCATTTGTGGCATTATCTATTGCTGCGTACGAACCTAGCCT
GGCACAATGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAAGTTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAGCCT
GGGAGGCAGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATGGTGTCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGA
GCAAGGCCTTGCTCAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAATTATACACCACTCAGTTT
TAGGAGGGGAGAACACGGGGAGAGCCCTACAGGATCAGAGGGGCAACCAACAAGCTGTT
TCAGAAGGCATGGGGCAGCTCAGCAACCATAAGTTATGCGTGGGCTTTGCTCTCGGGAGA
GAGGTTTCTGCAGCCGAAGGACTCACAGCTAATCTGGGTGAGGAGCGGCTGCCGGCTCC
CCCACTCTGGAGATGAGCGACTCTGTGACGTACGGGAGGCGGGGCGGAGCGCCGGGG
AAGCGAAGTAGGCAGGGGCGAGGCGGCTGGGGACGCGGGGCGGAGCGGAGCGAGTATGT
CCGCTCTGACTCGGCTGGCGTCTTTCGCTCGCGTTGGAGGCCGCTTTTCAGAAGCGGCT
>EP74122 (+) Hs NDUFB8; range -499 to 100.

CTAAGGAGCCAATTCAGGGCCGAATTGTGTGTGCACTGGCGTCTAAGTGAAGATCAACC
CATTTGGAGAACAGAACAAAGCAAGACCAACAGGTGAATTTGAAGAATGATCATGTTT
GGGGATGGAAGGAAGTGCCCTGTAAGGAGAGGAAAGCAAGCAGCCAGAGAAGAGAGTAAG
ACAGGCTCATTTCACTAGTACAGCTCCTGGGGGAGGTGGTTAAGCTGTCTACCTGAGTTG
CTCAGGTTCCGAGTTCCCATCATCCCTGGATGGGTCTAAGTCAGCTCAGGGAGAAAAAGG
ACACAACATTCTGAAATGTGAGAGACCTGCCTGGTTTTCCCTTCTTCCCGCTTATCCTTC
CCAGCCTCTATCCAACCTTGGCTTCCCAACTGCGTATTTAAACCCCGCCCCCTGTTGAAC
CCTTCGGCTTTTCTTCACTCCCGGCTTCTCCGTACGTTTGGCCCGGCTCAGCCGCCGT
GACAGGCCCTTTCGCGATGTGAGAAGGGAACGTGAAGAAGGTGAAGATGGCGGTGGCCA
GGGCCGGGCTTGGGAGTCCAGTGGCTGCAAAGGGCATCCCGGAACGTGATGCCGCTGG
>EP74123 (+) Hs NDUFB10; range -499 to 100.

CCAGCCAGTCCATGAGGGGCCCTTGTAAGAGCGGGGCCAGAGAAGTCTGTAGGGACTA
GGCAATCCAGGAAAGCTTCTTGAGGAGTAGGGTGTGGAATCGCGTGCTATTTGTTCA
CTTTGTCGTGTGCGCTCTAACGGCTGTGTTCTCCATCACAGTTTATCTTATTCCTGCT
GCACTCAGCACAGTGCTGGCGCGCAGTGGGAACCAATGACCCCTCCTATTCTTATG
TCAGTTGCTTTTGTCTGTTTCTTTCATCGTAAGCAGGAATCTGTCCGGTTCGCGGCTGC
TTCCAGGCGCCAGACCAGCGACAGCACCGCGTAGGCGCTCGGCACAGACCGAGAACG
GAGGCCCCACGCGGGGGCGCCCTGCGGCGAGGCGGGTCCCGGCCGCGCCGGCGGAGCCG
GGGAACACAAAGTCCCATGGTGCATCGCGCGGCCAGCGCGCAGACGACCGCCCTCGGC
GTCTCTGTAGCGGGCGACCTAGGCCGCGGGACCCGGACGGAGGTAGAGGCCAGGGCAGC
GCGTCCGGGAGCGGAGTCCGCGCCCGCCGCGCCATGCCGGACAGCTGGGACAAGGATGT
>EP74124 (+) Hs VBP1; range -499 to 100.

TGACCACTCTGAAACAGACACAAAGTAAGTTCCCTTCAAGGGGCAGGAAGCTCCCTGGGA
TGGTGAGACCAGAAAGGCACAGAGGCTGAACCTCGTGATGGCGCTAGGTCCCAGGTTG
CTAGCATCCGAGAGAGGGGATTGGGTGCTCCAGAGGCCATTGCGAAGGCTGCTGCCAGT
TCTAGGGTCGGGGTGGGGTCAGGCTAGGTCCTATTCTAGGGCTTTAGCACCGCTCACT

CACAAGACCCCTTTTCCAGGAGGACGTATGGGTTTTCTGTGCTCCAGCTTCTCTTT
CGCGGCCCTTCCACGCTTGTCACTTACCTGAGCGCAGCCAATCAGCACCTAGAGGTTGGG
CTACTTTTCGGCCAAAGGAGAACGGGGACTTGTGGGGACGCTCCCTGCGCACCAATGAAT
GTGCATGGAGATGGAGAGGCGGGCTGCAAGTGCAACAAGCCAATCACGGAATCCCGGC
GGCCGGCGGCCCGGGAGGCAGTCGCGCGCTCGCATCCCCAAGATGGCGGCCGTTAAGGAC
AGTTGTGGCAAAGGAGAAATGGCCACAGGGAATGGCGGCGGCTCCACCTGGGGATTCTCT
>EP74125 (+) Hs WRB P1; range -499 to 100.

TTCTATTAACCTTATTTTTTTCAGGTATGCAGTTGTGTAAATTGGTTAGACTTACTACAGTG
TTTAGATCTGGAACGAAAACGTAAGGCATTTTCCATGTAAGTCTTGGAAACACGACAGTT
ACCTGCTACTATAAAAAACGGTAGTTTTCTATTTATGGAAGAGTTTTTCTTAACTTATCT
AGAATTAAGTTAATTTAAAGAAAGTACTAATTATGACAAAAGCAGGGAGTCGTTAGCA
CTTGAAACCAGAGTTTGGTACTATGAGAAGGTTTTTAATTTTAAAAAGAAGGAAAAAAAG
AAACACGGACGTCAGAAAACCTGGTTCAGTAGGGATGGGTGCTAGAAGGCTACGGAACCGC
CGAAGGCCCAGGAGAAACCCGGAACGTGTTAACCGCTCCAAGTGGAGCCGGACGAAAAAA
CGGCCCGCCTCCCGCGAGGGCGACGCAGTTTCGACGGCGCGTCGGCGCGCCTGTTCTGGG
GCGCTTGGCTTACCGCGCAGGCGCGGTGCGCGCTGTTGTTGTGGTCCCATGGAGCTGCG
CGTAGCGGACCCAGCACAGCCAGGAGCGTCCGGGATGAGCTCAGCCGCGGCCGACCACTG
>EP74126 (+) Hs WRB P2; range -499 to 100.

TAGATCTGGAACGAAAACGTAAGGCATTTTCCATGTAAGTCTTGGAAACACGACAGTTAC
CTGCTACTATAAAAAACGGTAGTTTTCTATTTATGGAAGAGTTTTTCTTAACTTATCTAG
AATTAAGTTAATTTAAAGAAAGTACTAATTATGACAAAAGCAGGGAGTCGTTAGCACT
TGAAACCAGAGTTTGGTACTATGAGAAGGTTTTTAATTTTAAAAAGAAGGAAAAAAAGAA
ACACGGACGTCAGAAAACCTGGTTCAGTAGGGATGGGTGCTAGAAGGCTACGGAACCGCCG
AAGGCCCAGGAGAAACCCGGAACGTGTTAACCGCTCCAAGTGGAGCCGGACGAAAAAACG
GCCCGCCTCCCGCGAGGGCGACGCAGTTTCGACGGCGCGTCGGCGCGCCTGTTCTGGGGC
GCTTGGCTTACCGCGCAGGCGCGGTGCGCGCTGTTGTTGTGGTCCCATGGAGCTGCGG
TAGCGGACCCAGCACAGCCAGGAGCGTCCGGGATGAGCTCAGCCGCGGCCGACCACTGGG
CGTGGTTGCTGGTGCTCAGCTTCGTGTTTGGATGCAATGTTCTTAGGATCCTCCTCCCGT
>EP74127 (+) Hs COPS5; range -499 to 100.

GTACAGTGAGTCATCTTGAAGTAAACGGGAATGCCATGTTTATCTTCTCTCAACCAGCT
TCCAGAACGACTTTTAGCTCAGTTGTACAACAGACAGCCTTACCTTTTAGTCTTTCAACA
AACTTATCTCATTTAAGGTACCTATAACCCACAAAAACACTTTCCGCCCTCCACATCCC
GCTCTTAAGGCTCCAGTACCTTTAATATGCGGGAGGGCCGAGCCTGCGCATTAGAAGCAG
AGAAGGCAAATACCAAGTTTCTGGAATAACGTTACATGCCCTTCTTCCGTTGCGGAAGACT
ATACCACTCCCATAACCTATAACTTTGTTTGTCTATTTTACACATATAATTTTCCGAGA
CAAGATGTTCTCATTTAAGCAACAAGAAGATTCTGCTCTCGCTATTACTGTAAGTGTGT
TTATATCGTCATGTCCCGAAAGGTCCCTGTCTTCCCTGAATGGTCTCTACCAACTTAC
CTCCGTTTCTAGGTGTCTAGGCTGCCCCAAGAGTCTAGGTAAGAGTTTGTCCCGTGGTG
CGGAGGGTCAAGGCCACACCCGAAACCTAGCGAGGTAAAGTTGCGTCTTGTTGTAGA
>EP74128 (+) Hs BZRP; range -499 to 100.

AGAAAGTGGCTGGGCCAGGACTAAGAGTGCAGCGCGCTGCCTCCGTGCCCTGCGTCAACA
GCTCAAGGAACCTGGGGTGCTCCGGAATGGGGCAAGGCTGCTGGGCAGCAGGACGCTCA
GGGCTTGGCCTCAGGAGAGGTAATCCCCACTCGGAGATCGGTCTTGTGCTGCATTTT
ATAGATGGGAAAAGTGAGGCTAGAAGAGACGACAAACGACACGCCGTTGGACACACGGCA
ACGTTTTAGATGTTGGGTCTGGCCGGGCGGCCGTACCGGTACCATGGGGAGGAGGAGG
AGCCGAGAGACTTGCTCGCGGCCGGGGGAGGCAGAAAGCGCGTCCCGCGGGAGAGGTGGC
TTTGAGGAGTGAGCTCCCGGTCCCGCGGGGACGCGAGTGGGCCAGTGCCCGGGTGCCA
GGCGGGGCGGGGCGGGGCCGGCGACTGAGAGGGGCGGGGCTGGCGGCTGGGAGGGGCG
GGGCGGATCGGGGACAGCGGCTGGCTAACTCCTGCCAGGCAGTGCCCTTCCCGAGCG
TGCCCTCGCCGCTGGTGAGTGAGGACGGGACGCGGAGGGGCGACGGGAAGTGGGGGCC
>EP74129 (+) Hs CHEK1; range -499 to 100.

ACCGCACTCTGAGGTTTACAAAGCACTCTGCTTACCGACTGTGATCCTCACAGTCCTGT
CCGGTGGCCTCACGCAGGTGGCGGTGCAGCCTTTCAGGCCAGAGCGGCCAGGAGCGAAG
CCCGCAGCCCCGCTGGAAGCGCAGCGCGGTGCGTGCAGCGCCCTGAGGCTTGGAGGCC
TGGGCTTCCCCAGCAGCGCTCGAGCACCGCCAGTCGAGCCTCACACGGATGCCACTT
CATATTTGGGCCAGAGCTCAATTCGCGCCGATGCGGTCCGCGTCTTAAATCTCTTCA
GCCAGGATCTCTCCCCGACTGCAAAGCAGCCCTGGGCGGGAGCGGCAACATCTCCACGTC
ACCTTTTGGAGCCGCCGACATTCAGAGGGGACAGACGGGAACGCGCGCTGTCTTGCT
TTACGGCGCGGGTGCGCGAGTTTGCGGCAGCGTGACGCCCTCAAGTTTTGGCGGGAAAAG
CGCTGCATTTGGATTCTGCAAGTGGTGGGCAAAGGACAGTCCGGTGAGGAAGGGCGGCCG
GTAGAGTAGGGAAGGTTTCTAAAGAAGGAGTTCGGGTCTAGATTAGTGAGGGAGGGCAT
>EP74130 (+) Hs SGT; range -499 to 100.

AGTAGACACTTTGCTGGTTTTATGGCTGCTTTGCAATAAATATTGAATGAATATTAGGC
ACCTGCTGTCTACAAATGGCTCTATACTCACAACGTCTCACACTGCATGAAAGAATGCA
TTTGTGGGTGAGTAGATGGGTGGGTGAATAAATGAACAAAGATAGTAAGCGGGTAACACT

GACTCCCATTTCATTGCGCAGCTGTGACGCTCTGGAGTCCAGGTGTCCAAACGCGGCTGCA
CCACGTGGCCGCGCCAGCACACGTGGTACGCTCGGCGACCGGCTGGAGTCAGCCACTGT
TCCACCGTGCACCGCTTCATTCCCGCTCTAGAGGGCAAACCAGACCCGATTTCCGGCCTC
CATTAGGTGCGAGAGGTACAGTTGCCCTAACCAACAGCTGGTTCCCGCCTCTACGTTGCGT
CACTTCCTTCCACGCGCCGCTCCATCATTAACGCGCCTGTGCAGAAGGGAAGCAACTCCG
GGCGCCTTTCTTTTGGCAGCGCTCGCGCCTGGGGCCGGGGCCGGGCGGCACCGCGGTG
CGCAAGCGCAACCGTCGGTGGGTGGGGATCGGTGCGCTGAGAGGTGAGTGAGGGGCACT
>EP74131 (+) Hs SLC25A4; range -499 to 100.

GAGAGGACTGCCATTTATTCTCGGGAGCGACGGCTCTAAAGAGGCCCATATCCAGGCAG
TGAGCTCTGGTGGGGGGCGCCTTTAGATGCAAGAAGGAGGAAACAGCTCGAAATCCCTGG
GCCTGAGCGCGGCCCGTGCAGGCCGAGGGTCAAGAAGTCTCCACCGCGGCAGCGGGCC
GGTGTCTGCCCGGCTTCGCCCGGCTAAGGCTGCCTGTGCTATAAATACGCGGCCAC
ATGCCGCGGTGACACGGTGTTCCTGGGCTCGGCGGGACAGATAACATGAATGTGCCCTT
TAAACGTCCCAAGTTGCAGGGACAGCCCCGGCCAGCCTCGCTCCCGGAAGCGCCTTCG
CCCCGATGCCCTCTGCAGCTGGGAGGAGGGGGCGCCCCGACCTGCCAGCCAATGCGC
GGCGGAGCGCCGGCCGCGACCCGCTCTCTCGCAGAGCCCGCGGGGATATAAGGGG
GAGCTGCGGGCCAGGCGGCGCCCCCTAGCGTCGCGCAGGGTCGGGGACTGCGCGGCGGT
GCCAGGCCGGGCGTGGGCGAGAGCACGAACGGGCTGCCTGCGGGCTGAGAGCGTCGAGCT
>EP74132 (+) Hs PAK4; range -499 to 100.

AGCCAGCTATTTACCCTCTGAACCTCTGTTTCTTTATCTGTAAAATGGGTATTAATGAT
ATTATACCACAGGGTTGTATATGCAGCGAGAAAATGCAAGTAAACACTTATCCCGGTGC
CTGCCTCCTAGTAAGTGCTTAAGAACTGTTTCTGCCATTAACCTATTACTTTCTCCAG
CCCCTAACTCCTTCTGGGGGGGAAGTTAGAAAATCGGTATCACACGAAAACAGTCATTT
CCCTTTAAGGACCTCAGTGGGCCGGGAGCCAGCCTTCCCGCACCTTTTCCAAAATTTCCA
ATCCCCGCTTGCCATTTTCTGCCGAAGGTCTCCGATTGGACGCTCTGTACCAATCGGAG
GCTGGAGCGGGCCCTGAGAGGCGCCGACTCCGCCCCCGACTGGCCCTGCCCACTGCC
GGTCAGCCTCGTTGCTATGGGGACTGGTGGGCGGTGAGGGGGGAAAGCCCCGGATGTTG
TTGGGGATTCAACATGGCGGCGGGAGTGTCCGCGGTGGTGGCGGTGCAAGAGAGCTGAGG
GAGGCGCGAGGGCGCGGAGTTCCAGGTCGAGCAGTTAGGCCGCGAGCGACTGCGGCGCCG
>EP74133 (+) Hs UBE1; range -499 to 100.

GGAACCTTTCTTGACCTCTCTGAGTTTCCAGGTTGAGCTACTGCAGCAGCATAATTCATT
ATTCAGGACCTGGGAGAGTGTGTTTTCCCTGCAGCAGCCCCATTTCCCTGCTTACAGTGT
ATTAGATGCAGCAATAGGCGGGCGCTCCCTTTTATTCCAACCCACTGGGCCTCATGCAT
TATTCATGAGTAAGTTGTGGCTCGGGTCTCCTTGCTTCCGGGCCCTGCAAGATCATCA
TTATTCATGAATGGGGGTGTGTGGCTTCCATGTTTTAACATCTGCTTTCTGGTTGCTGGT
TGTTAGTCTACCAACCACTCAACTTCATGCATAACTTATAATCAGGAAGCATGGCCTTAA
CGGTTTTTCTTCGCTTCTTGACAGCCTGGCTGCAACAATTCATTCATTAGTCGATTCC
ATGAGGCGTGGCCTCTGTTTTACCTGTTTTCTGTTGTTACTGCCACAATGTCCACCAGGTG
GTGCTGTTCCACTTCTAACCAATGAATCGCAACCGAGTAGGGAACTTTATGCATGATTC
ATAAGTAGGCGCGGCCGCTTGATCCGGGTTTCTGGGGGTGGGGCCCAAGTTTTGTTC
>EP74134 (+) Hs UMP5; range -499 to 100.

TATATTCCTATGTGCAAACTGCTATGGAACGTACGTAAGTATGAAAGTTAATA
AAAGAATTGAGTAAAGGTCCCTGTCTTTGATAACTTATATTCTATTTGGAGAAACATGGG
GGGTAAATCTTGGCTAATAACTAGCAAATATAACATGTTAGGCCAAGGAGTAGAGATAAT
TAAGAGAAGTGTGAGAAAGGCAATTGGCTATTAATAAATGGACAGGATTTATGCAAACTC
TCATGAAAGGTGGGACTTCATGATCCTACAGTCAATCTAGCTGTTCTGGGCTTTGAACCC
CAGCGACCCCATCCAGAAGAAACAGGAGAAGCACAACTGGCGCTAGGTTGCTACCAT
CCACCTGACCTTGAGCCCGGGGAAACCCACGGGTGCAGCAAGCCGGGAAAGCTGCAGAC
GAGGCAAGGCGGAAGAGGCGGGACTTCGCGGGTGACGTATCGGGGCGCCGAGGGCCGGG
GCCCTTGGGAATTTGAAGCAAAACAGGCGAGCGCGACAATGGCGGTGCTCGTGCAGCTT
TGGGGCCATTGGTGACGGGTCTGTACGACGTGCAGGCTTTCAAGTTTGGGGACTTCGTGC
>EP74135 (+) Hs YME1L1; range -499 to 100.

TTGCTGACTGAAACAGATCAGGACCAACAGGGAGAGTTTTCGATTTAGTGTGAGGAAAA
GAGCACTAAATTGTAGCAAAAGACCTTATTGCTCAAGGCCAGTCAGAAGATTTCTAAG
GAAGCTGTAGAAAGTCTTAAGAGGAAATCAGCCGGGCGTGGTGGCGGGCACCTGTAATCC
CAGCTACTCGGAGGCTGAGGCAAGGAGATCGCTTGAACCCGGGAGCAGAGGTTGCACT
GAGCCGAGATCGCGCCACTGTACGCCAGCCTGGGCGAAAGAACGAACTCCGTCTCCAAA
AAAAAAAAAAAAAGCAAGAAAAAGTCCAAAGAGGGTAAAGGCTGTTCTCCCTTAAAAAACA
GCTAAAGACCTTTGGGGGCGCTGCTCCTTGTAATGTCAACTACTTCCGCGGGAAGAAC
GCGCAGGCACTTGGCCTTGTGGGCGCTCACTTGCCCCGGAAGTACTGTTGAGTTAGCGCC
TCGCTTCCGGGGCGGATTGTCTGCTGTTGCACTAGCTGTAGGAAGGGGAGGCCATTTTC
CGTTTCTGGGAGGAGTGAGGGGCAACGGGTGCGAGAAAAAGGAAAAAAGAGGGCTCAGC
>EP74136 (+) Hs TIMM17A; range -499 to 100.

CTTGAACCTCGGAGGCGGAGGTTGCACTGAGCCGAGATCTGCCGCTGCACTCCAGCCTG
GGCGACAGAGCCAGACTCTGTCTCAAAAAAAAAAAGAAGAAGAAAAAGAAAAAGAAAA

GAAAAAGGATGGAAGGAGAGAAGAAAAGGAAAGGGGGAAGGGAAGGGGGAAGGGAAGGCG
GAAGGGAAGGGAAGAAAGAAAGCGTATTTAGGCAGTATCGCGTTGATTTCAAGTCCACGGA
ACCTCTGGTGACCGGGTAGTGTGACTCCGTCATTGGTAGCCCCCGCCACACAGCCGGG
ACTCGCGCCTTTGAGGACGTGGGACGGGCCAGTCTCGCCACGCCGCGGCCAATGCCCCG
ACCACACGCTGGCCACAGGAGTCTGGCTCCCATTGGCTGCAGCGGGAATGGTGAACCA
ATGCTCATAGACCTTAACGCCCTCTCTCGGGATCACTTCCGCCTCTGGGGTCAGGCTCC
GCCAGCTTGCCCGGCATCACTCGCGGCATTGGAGTCAAGATGGAGGAGTACGCGCGAGA
GCCTTGGTGAGCTTCAACGCTGTCTTTGCATTTCTCTTGCCCCCTGCCACTGCCCTCC
>EP74137 (+) Hs MRPS2; range -499 to 100.

ATTGGACTTTTCTGTCCAATGTACTCCAGGGATGCTATGCCCCCAGCACCCCGAGTCT
AAATTGAGACCCGAGATCTGGCTAACTTTATGAAATTCTCTAAGCCAAATATCGTTTAA
ATATTACAAACAGTTTTGGAGAGCGAGAGGTTGCGCAGGACGTGGTTCACAGCTCACTTG
GCGGGAGGCGAGGGTCCCCATCGCCAGCGGGCTTCCCCAAGGGTCAGGGGCCTCCCGGG
CTGGCCGGTCCCATAGCAGGGCGGGGCGAGCTGCAGGGCGAGGACCGTGGTCCACTCC
CCGCCCCGAGACTCTCAAGCCAGGACCCCGGGCCCTGACCCCTCGCGTGCCCCGCCCCG
CAGGGAGGTCACAGCCGCTGGGGACAGCGCTGTGGCTCCTCGGGCCTGTAGGCGGCAC
TGCGGCCCGCGCGGATCGGACGGAAGGGAGGCCGCTCGGCCTGGCCTGGAGGGAGAC
CTCGCTCTGCCCCGCGTCCCAGCCATGGCGACATCTCGGCCGCGCTGCCCCGAATACTC
GGCGCGGGTGAGCGCGCTTGGCGGACCTGGGGAGGAGCATGCGAGGAGGATGCGGAG
>EP74138 (+) Hs MAEA; range -499 to 100.

TTCCAGCAGCTGTAAATCGGTCAAAATAAGGCCAAAGAAAAATAGCTGGCTACAGGCGCA
TGCGGCCAGGCGTTTTGTTGGCGTTGCCCTTGGTACCGCAGGCACGAGGGACCCACAGGG
GACCACCCCGCGGGAGCCCCAAGTAAGTGGACGGACGCCAAGTCCCCAGCCCGCTCGGC
CCCAGCTCCACCCGCGGGCGCGAGCCCGCACCCCATCGGCCCGCCCGGGCCAGGAGC
ATCCCCAGCTCCGGCGTCTGCGGCCTGAACCCGGTAGCGAATTCAAGGTGAAACCGCCA
GCCGGGGCTATCGTTGATTGGCTGAACGAGAGGAAACCCGGCAGTGATTGGTTCGCGCCT
TCTTCCGCTCCGGCCGACTGGGCGGATACGATTGGTGCAGGGGCATCGGCCCGCCCCA
TCCTGCTCCGGCCGGCGCGTGGCGTCATTTCCCGCGTGCGAGCGCGCTCGCGCGTCCCC
GCCCGCTAATGTTTTGGCCGCTTCAAGATGGCGGTGCAGGAGTCGGCGGCTCAGTTGTCC
ATGACCCTGAAGGTCCAGGAGTACCCGACCCTCAAGTGGGCGCTGCGCCGCGCAGGCT
>EP74139 (+) Hs ANGPL3; range -499 to 100.

ACAGAGTACCAGAGGAACACAGCATTGAGAGCCGTAACACCACCTGAGGGAGTGAGAAAA
GGCTTCAGAGAGAAAGTGTTTTTGGAATGGATCACTGTTTCCAAAAGAACTAAAGTACA
GTTTGAGAAATGCATACTTAATTTACTTATTTTCCCTCAACTTTAATAATAAATTTA
CCCAACAAAAAAGTTTATTTTTGACTTGTAAATCTCTTAAATCATAAAAAAGTAAATTT
AGCTTTTAAAAACAGGTAGTCACCATAGCATTGAATGTGTAGTTTATAATACAGCAAAGT
TAAATACAATTTCAAATTACCTATTAAGTTAGTTGCTCATTTCTTTGATTTCAATTTAGCA
TTGATCTAATCAATGTGGAAGAAGTTACATTCTGCAAGTTAACACGGCTTAATGATT
AACTATGTTACCTACCACTTACCTTTTCTGGGCAATATTGGTATATATAGAGTTAA
GAAGTCTAGGTCTGCTTCCAGAAGAAAACAGTTCCACGTTGCTTGAAATTGAAAATCAAG
ATAAAAATGTTACAATTAAGCTCCTTCTTTTATTGTTCTCTAGTTATTTCTCCAGA
>EP74140 (+) Hs DNAJA2; range -499 to 100.

ACACACGCGCCCCCAGTTTTTTTCATCGTAAGCCCCGAGGGAGCCAGACCCAGAGGGTC
CACCGACGTCCCGGATTCTAATAACGACATCTGCGCGCCAGGCGGGCCTCTGCGGGAGC
CGGGGCCCATTTTCTTTCGAAGCTAACGAAGCTGCTGCGCAGGCCTGTTAATTCCTCAG
CAGCCAGTGCGAGGTTAAACACGCGACCTCGCAACCATGGCTTTTGAGAGGAAGCTGAAT
TCCTGGGGTGCGCGTGCACAGTTCTTCATTTCTACGTTGGCCCTGCCAGCCGCTGG
ACCTGGAGGAAAAACAGAGAACCTGGCCACTCTTCAATACTTCGACCCAGTGGCCGCGC
CTCGGGCGCTCGGGGCGGGCTCTGCGACAGCGACGTCACGGCGCACCGTGCCTGGGTCA
AAGTTTCAGCCCCGCCCCGCTTCCCCCTCGCTGTCTCCCTCGGCCTGTGCCGCGCCGAC
GCCGCTTGTGGGCCGACTCCGCTCTGTCTGCTTCGCCACCTTCTCCCCGAGCACTGCCC
GGCCGGCCGCCATGGCTAACGTGGCTGACACGAAGCTGTACGACATCTGGGCGTCCCCG
>EP74141 (+) Hs TXN2; range -499 to 100.

CCGCCCCGCTCTTCCAATCCGTTCCCCGACGGCCTGCCATTGCTTCCGGTCCGTAGCTG
AGGCCCCGCCCTTCAACTGTGCTCAGCCGCCATTCCCATTGGCGGAAAATCCCAGAC
GCCCTCAAATTGAGAGGGGACAGATGGGCGCTGTGGCTCACGCCGTAATCACAACTCT
CTGAGAAGCCGAGGCGGGCGGATCACGAGGTCAAAGATCGAGACCGTCTGGCCAACGT
GGTGAAACCCCTCTCTACTAAAAATAAAAAAATTAGCTGGGCGTGGTGGCGCGCGCCTC
TAGTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCCGGAAGGCGGAGGTTGCAGTGAGC
CGAGATCGCGCCACTGCACCCAGCCTGGCAACAGAGCGAGACTCTGGCTCAAAAAA
AAAAAATTTGGAGAGGGACGCTCTTCCGCTGCCTGTACCCGGAAGTGAC
GTTATGTACGTCCCCCCCCGAGGAAGTGACGACAGGCGTGCCCTTGACAGGCAGGGAGGG
CTAGGCTGTGCATCCCTCCGCTCGCATTGCAGGGAGGTAGGAGCCCTGTGGGGTGGCTC
>EP74142 (+) Hs RFX4; range -499 to 100.

GGTGGCACGTCCCTTTAGTCCAGCTACTCAGGAGGCTGAGGCAGGAGAATTGCTTGAAG

CTGAAAGGCAGAGGTTTCAGTGAGCCACGATTGCACCACTGCCTCCAGCCAGGGTGACA
GAGCGAGACCTGTCTCAAAAAAAGCACATTCTGCACATGTATCCCCTGCCTTTTTTTAG
AAGAAATTAATAAATAAATAAATCTGGGGGTGGCTGGTGAGGAATGTGTTGTTGTG
CCCTACAGAAGTGAATAGAGAAGTCAAGATCAGAGCAGTAGCTTCACTGTGGTTGTTG
ATTTTAGCTACGTGATCTCTGAATAGTCAAGAAGTGGTCTGGTCTGAACATATTAGATGA
TCTGGCTCTTAAGAAGTTATAAAGGTGAACTTTTAAGGTTACGGTGGTGTGTCTAACT
GTCATCCACCTGAAGCCACCGGAACCATGCTCTCCCCACCCACAGAGTGAGTTCCAG
GTGGGAAGGCAGTTATGACAGTTGAGAAGTAGTAGAAGACACGGAAGGCACAGAAGGCAG
ACTTCGCTCAGCACAAAGAATTTCTGATAACCATACTGGCAAAATGAACTGGGCTGCCT
>EP74143 (+) Hs TUBG1; range -499 to 100.

TCCCACTACTCAGGAGGCTGATGCAGGAGAATCACTTGAAACCAAAAAAGCAGAGGTTTC
AGTGAGTGGAGATCACACTGCTGCCTCCAGCCTGGGCAATAGACCTCAAAAAAAGGAT
AAAAAAGAAAGAAAAAAGGATTTCTTTCCCTTTCTTTCCCTTCTCTTTCCCTTTT
CTTTCTTTTCTTTTTAGATGGAGTCTTGTGTGTTGCCAGGCTACAGTGCACTGGCAT
GATCTTGCCTCACTGCAACCTCCGCCTCTGGGTTCAAGTGATTTCCAGCTAATTTTTGT
ATTTTAGTAGAGATGGGTTTCCCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGACCTC
AAGTGATCCGCCCACTTCGGCTCTCCAAAGTGTAGGATTACAGACATGAGTCACCACAC
CCAGACCCCAAAATAGGATTTTCTTAAAGAGCGCTCAGCTTAATTAAGTGGATATCTG
GGGGGCTGGCACGCGGCAGCGTTGCGGGTGGGAGCGGCTGCAACTCTGGTGCCTGAGGAG
CGATACCAAGAGAAATCATCACCCACAATTGGGCCAGTGCAAGCAATCAGATTGGGTTCTGA
>EP74144 (+) Hs RNF5; range -499 to 100.

TACTCTGTGTACAACATTAAGAAAGGGGTGGGCTTTAGTTCAAGTTTTGCTCTGTAAATC
ACCTAATATGGGGAGGGCTGAGTCGTCCAGCCGAATGAGTTGGGTTAACACCAGCGCCGC
AGATCGATGTTCCCACTATCCAAACGTCGGGCTAATCCAGTTCTGCTCCCTTAACATAAA
AGGGAGGGGAGACCCCAAGTTCTGCTCTCTACGTACCAAAAGGAGGTTGGAGCCATTTTG
AACCTGCGACCTAGTGTTCCTCTTTTCTAGCTCTTCGCCGTCTTCCCGATGTC
GGCCAATCAGGGGAAAAGGAAAGGCCCAATCAGCAGAAAGTCCACAGCTGAAGGACCCG
GATGAAGCGAGCCTAGGACTTTGAAGTGCAAGCCTCGCCAATTGTAGAGCAGTCACCATG
GCGACAAGATAGGGGTGAAGAGGTGGAAGAGAGGTTAAACCTCACAGGATTGGCC
CACCCCGTCCCGCGCGTGTGCGCAGGCGCGTTTACCTAACCAACATTTCCGTCAA
GTTTAGCCAATGAGTTGATTGGAGCCATACGCTCCAAAGTCCAATAGCAATCCGGACA
>EP74145 (+) Hs ANXA2; range -499 to 100.

GCAGACGGTAATGGGGCGCTGGATGCCAACAGCCCCAGCTCAGGGGAGTCCAGATTTATG
TTTCTTGGAACAATTCTTCTCCTCATTGCATTAACGCCAAAAAAGGAGGAGGAGGAGGAGG
AAACACTTAATCAAGCCCAGAGTCTACTACTAAAGTCTTGTTAATTTATTAACCCAAGCC
GAGGCTGAGAGCTCGAGTGGCACTTAAGAAGTAAATGAGGAAAGGAGGAAGAAACGGG
GTCCCTGTGGGCTCGGGGAGCCTCGGCCGGGCTTTCTCGGAGGGCAGGGCCAGGGGCG
CTGGGGCCGCTCCCGCTGGCGCGGCTCGGGAGCGTTCCAGGGCGCGGTCCCTGCGGGCC
GGCGGGCCGGGGTGAGTACCCCTGACTTGGGGTGGGAGCGGGCGGTGAAGGGGGAGGC
GGGGCGGGGGGGGGCGGGCTCGCTCGCTAGGGAGGATGTGGCGGGTATAAAGCCCC
ACCCAGGCCAGCGGCTCTGCTCAGCATTTGGGGACGCTCTCAGCTCTCGGCGCACGGCC
CAGGTAAGCGGGGCGCGCCCTGCCCCGCCGATGGGCCCCAGCTAGCGGGGTGTGGAG
>EP74146 (+) Hs NIF3L1; range -499 to 100.

AGCATTCGAATAAGTGAATGAAAGAATTAATGACGTTACTCCATACTTGGGCTTCACCAC
TTCGTCTAGCACAGCCGTTGTTAAAACAGGAAAAATGCAATCGCAGATGCCAGCAGAGGT
CTGTTGGTTCAAATATAGTTTCTTTGGGCCAGCGGAAGTTGGGCGCGGGACCCAAGAG
AGAGAACGCCCTTACCGCTCACCTCCTTCTCCCTCATCTTCTATCTCAAACAAA
ACGACAATGCAATTTATCCCCAACCGGAAATTTGACAGTGAAAGGGAGCTCTACTAATAA
TTGCACTGGGACAAGAAGTGAAGCGAAACTACCTGGGCAACCTCAAGCAATGCTTTAC
ACTCGGCTGCCAAACGGAAAGGACCACTTCCGCCAGCTCTCCCGCTACGGGGAGGCAAG
TGCCACAGCATCCGGAGCGCCGACGCGGGACCGGAAGTGACGCAGAGAAGTTTCCGGGAC
TGGTGAGTAGTGGGCGATTTAAAAACCCGCGAGTGAGTTGTGACCTTCGCGGTAGGTGC
CGGTTGGGGCCGGCTGTGATTGTTATCTTGGTGTGAGAGGACAGCAGAAGAGGAGATT
>EP74147 (+) Hs EEF1D; range -499 to 100.

GGCTGCGGCGGGGGGACCCGGGCGCGGGTGCAGGGAGCCACACGCCAGCCGCTCG
GGGCGGGGCACTCGGGGGCGGGCGCACGGGTCCCTCCCTTTGTCCCGCAGCTTGGCG
GGCGCACGCGCGCTGACCTAGCCGGCCCGCCCCGCCCGCGCTGCGCGCTGGCCGCC
TCGTGCGTCACTCGGCGCTTCCGGGCTGCCGGACCCGCCCCACCGGCGACACCACTGGC
CGCAAGCGCAGGGGGGGCGCGCGCTGCCGCCGTTCCAGCACTTGTGCACTCTCT
CCGGGGAAGAGCGGCTCCGCGGTATCTCCAACGGAATTTGCTTTGAAGTGTGGGG
CACGGCGCGTCAAGGTTCTGGCGGCCAGGCGGGGCGTGTGCAAGGTCGCGTCCCCC
CCGGGCCCCCGCCGTTGGTCTTGGTAGAGCCAGTGTTCATTTCCCGTGCAGCGGCC
GGGCGGCCCTCCCTTTTATCAGTCTTCCCGCTCCGCCGATTCTCTCTCTTGGTCCCG
CGTCTTGGTGGCGTGTGAGTACCGCGGCCCGGCCGGAAGGAGTCGGGCGCGACAGAG
>EP74148 (+) Hs H1F0; range -499 to 100.

TCGCCCAGCTCGGGGCCGCGTGTGTAGTTGGGGCCGCTTTCCGGCAGCTCCACCGGGCT
AGGGGACCCCGCAGCGGGCCGGGAGCAGAGCCCCCGGTAGCCTCAGGGGAGAGCTTTGCT
ACGGGGGGTTTTCCCGCACCAGAGGCTCCCTAGCCCCGAGAGCCAGCCCCCGCAAAGGGG
AAATGTGCCGGCACACCAGCGGTCTCGGCGCCGTTTGGGGTGCCTGGCGGGCGCGGGGG
GCGGCGGGCCGGGCCAGCGGGCCGCCGGGGGAAGCCAGGGAGCCAGGCAGCGGCCCA
GGGCGGGCGGGGAGCAGGAAGGCCGGGGCCGGGGGAAAGGTGCGATTTGCTCGGCGG
AAGAAACACAGATGGCGGGCGCGCAGCGCCATTCCGGGCCGGGAGCAGGCAGCCAGCAGC
CCTGTCTCACCGCGGTCCGCCCGCGCCGCTAAATACCCGGATGCGCCGCCCAAGCGCC
AGACGCGGAGCTGGGAAAAGGGAGGCAGAGGAGGCGGAGGCAGAGGCAGAGGCAGAGGCA
GAGCCCGAGCCCGGTGCCGAGACCAAGCGACAGACCGGCGGGGCTGGGCTCGCAAAGCC
>EP74149 (+) Hs GSTP1; range -499 to 100.

ATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAATAAAAT
AAAATAAAATAAAGCAATTTCTTTCTCTAAGCGGCCTCCACCCCTCTCCCCTGCCCTG
TGAAGCGGGTGTGCAAGCTCCGGGATCGCAGCGGTCTTAGGGAATTTCCCCCGCGATGT
CCCGGCGCGCCAGTTTCGCTGCGCACACTTCGCTGCGGTCTCTTCTGCTGTCTGTTTAC
TCCCTAGGCCCCGCTGGGGACCTGGGAAAGAGGAAAGGCTTCCCCGGCCAGCTGCGCGG
CGACTCTGGGGACTCCAGGGCGCCCCCTCTGCGGCCGACGCCCCGGGTGCAGCGGGCCGCCG
GGGCTGGGGCCGGCGGGAGTCCGCGGGACCTCCAGAAGAGCGGGCGGCCGCTGACTCA
GCACTGGGGCGGAGCGGGGCGGGACCACCTTATAAGGCTCGGAGGCCGCGAGGCCCTTCG
CTGGAGTTTCGCCGCCGAGTCTTCGCCACCAGTGAGTACGCGCGGCCGCGTCCCCGGG
GATGGGGCTCAGAGCTCCAGCATGGGGCCAACCCGAGCATCAGGCCCGGGCTCCCCGGC
>EP74150 (+) Hs NDUFB4; range -499 to 100.

CTGTTTTGCAAAGCACTTTGTGATCTATTTGTAGCTTATTTAATCCTCACAACTTT
GCTAGGTGGACAGGAGTCATTATCTCCAGGATAAGGAAAAGGAACTCAGAGACTTTAAG
TGACTTATCCAAGGTGACACAGCACGGTTAGACCCACAATGAAAACCCGACTTCTGACT
CCACAGCCAGTCCCACACAGCTCAACTTTACATAATAAGCCCTGGTTATGTCAGTAGAGA
CAAGGCTGCTAGGAAGAAGCAGCGCGGTGACAGATGAGTAGGTGGGGAGCGGCGGTGGGG
CAGGGCGCACTGCGAGAAGAGCACTTCGCGCATGCGCATATCACGAACGAACGCGCCGT
GTTCCGGGAAGGTAGGAGAAAGAGGCGGAGCTCCTTGTTAACGACATCCCCAACCTCTGCT
AACGCGCAGGCGCACTTCCTGAAGCTGAAGGTGAGCATAGACAAAGGGCTCAGAATCGC
GCAGGCGCAATTGTGCCCTGGTTCGCCAAGATGTCGTTCCCAAAGTATAAGCCGTCGAGC
GTGCGCACTCTGCTGAGACCCTCGACCCAGCCGAATACAACATATCTCCGGAACCCGG
>EP74151 (+) Hs BCAS2; range -499 to 100.

TCACGCCACTGCACTCCAACCTGGGCGAGCAGAACAAGAGCCCTGTGTCTACAATAAAAA
GGAAAAAAGTCTCGCACAGAGGAAGAGAAGATTAAGGGGAGAAGGTGGGAGTAAGCAGAG
GTGGGAAACCAGTTTATCTCTCCCCGCCAAATGCTGCAGCCAGTTCCCTCCAAAAGTGTT
AAGGGGCTCCCTTTCCAGATATCAATGTTTTGGAGGAAACGAAAAGCCCCAATTCAAAT
CGCCGCCATTTCGAGGCAAAAAAAGGGGAGTAAGCAGAGGACAGGAAATTGAGGCCTTT
CGCTGACGCAGACAAGCCAAGACGTTACGTACGTCCGCCCAAAACAAACCAGCCCCGCA
ATTTCTAGATACCGGGCGGACCCGCTTCAAATTTAGCAACTGAGCATGCACTAACGTCA
ATACGGAGGGAACTGATTACATCAGTGTGAGGCGCCGCGTAATTAATATAACTGAGT
TTACGCAGACGCAGAAAACGAGGCAAACTGAGGTCTCAGAATGGCGGGCACAGGTTT
GGTGGCTGGAGAGGTTGTGGTGGATGCGCTGCCGATTTTGGATCAAGGTTATGAAGCCCC
>EP74152 (+) Hs BET1; range -499 to 100.

TCCTACTCAAAGGAACCTGGTTTTCTTTCTTTACTGGATACTACAAGGCACAAATCGGT
TACTTCTGTGGGTGTGCGATTACTTGTTTGTAAGTGAAGAACCTGGACAAAGTTTTCTC
TAATTTCCCTGAATCGTCTCTGGAGGTGAGAGGGAGTTCGAGGCTAAATCAGGAAAGAT
ACCCCAACCATCCTCTTGTTGGGTGGGGAGGAGCAGATCTGCTGGGTAAACTTGGTGGTC
AACAAACTGAAAAGCAGCGACCCCGGGCTGCGAGCGGAACGCGGGACGTTGGATCAGA
GACCCAGAATCAGAGCCGAGTCTGAAGCCGCCCTTTTCCGGACGCCCCGTCCGCTCCT
GGAACCGGGTTCACATCACGCCCTCAGCAACACGTTATGCGTTGGTGAACATATTTCCC
AGAATGCCTTTCAACCTTCTTCCCAGGGCTCCAATGAGCGCCGTGGTGACGCCATCATCC
GGCGCGGTGTTTAGACTCCACTGATGTCGTGGCGCTTTAGGGGAAGAAGTTGGTGTTCG
CTGGGCCCTGGTACTGAAGACGCGGTCCGGGTGCGCCCTAGCTGTTTCTACTACCCCAA
>EP74153 (+) Hs SKP2; range -499 to 100.

CACTCGGGGTCTGCCGGGTCCCTCTCTTTCCGCTGCTCTCGGCCCCGACCCAGACT
CAAAAGCGCCTCACGCGTTCGCTTAGGCTCACCCTCCGATCTCGCCAGACAGCGTCTG
GACGGGACCGGGAAACGGCGCGGCCACAGCTGTCCAGGTTCTGGGATCCACGCTCAGAG
ACGACAGCGCTGGCGATACCCAGAAGGCCTGCGGGCTCCCGAGAAAGGAAATCCGTCTA
CAGTCCAGCGGTGACATTTCCAGTCAGCCGTAGCGCCGCCGCTTCCGCTCCCCGCC
TACCCCGTGGGCCGACCACTCCCGCTCCCGCGGGGGTGTGGGTATCTCGAAGGCGGGT
AAAGCTGCAAGGGAAGGAAGTAAGGGCGAGCCGTCGGACTACGAAGCGGGACGGAACCT
ACAATTCCAGCAGGCCTTGGGCCTCAGTGCGGCCGCGAAGCAGAGCGGGCTGTAGAGCC
TTGCGCGCGCAGTGGGGATGGAACGTTGCTAGGCTTAGCGGGTCTGGCTGCTGGGGGCC
GAGCAGCACGCTCGGAGCCGCCGCGGCCAAAGCGGGAATCTGGGAGGCGAGCAGCTCTG

>EP74154 (+) Hs TIMM13; range -499 to 100.

CTGCAGCCTCTTCCAAGCCCTGCGTCCAGCGAGCGTCACAGCACAACTGCAAAAACGGA
GCTGGGCTGCAGCTGGGGCTGGCATGGACTTTCATTTTCAGAGATTCGGTTTTTAAGAAGA
TGCATGCCTAATGTGTTCTTTTTTTTTTCCAATGATTTGTAATATACATTTTATGACTGG
AACTTTTTTGTACAACACTCCAATAAACATTTTGATTTTAGGTTCTGCCTCTGAGTTTA
TTCCTGAGGGGAAGCTCGAGCCGGGGCCTCTGCCCTAATGAAGCGGATGTCTAAGAAAGA
TCCCTCCACCCCAAGGAAAAAGGTCACTGGCTAGTGTAGCTAGTGTAAACAGGACCCAG
GCGATGCATGGGACCCTGCCCTTTTTTTTCTAGTGAGCCTCCGACGCTGTTGCACAAGCT
GACTCTTCGTACGTGATGCGACCGGGCTCCGCCCGGCGGCAACACGCTGTATAGACGC
GCCGGGTGCCTCGTGCGCATGCGCGGAGGCCCTTCGGGACGAGCTGGAGGCAGAGCGTG
AGTACAAAGTGATCGGCCTCGGCCGACGTAGTAGCCCCCTACTCCCCGGCCAAGTCAG

>EP74155 (+) Hs MRPS25; range -499 to 100.

CCACCGCGCCTGGCCCTAGAAATACATCTCACCCATAGTTTGTTTACGAAAAAATTGAGG
TCCTGAGTTAAGTGCGTGAATTTAGGAAGGAATTGATCCCAAACCATCTTTTTTCTTTT
GCTAAGAAGTTTAAGTCAACGTCAGAAAGTGCAAGTTTGAACCTTTCATGATAAACTGGA
GATGTTTGGGGAGAAAAATGGACAATACGTTCAATAGGACGTTATCAGCTGACTTGGTAT
CCAAACTGAGCTTTCTGATTATTTCTTATTGCAATGTCTGACTTTTAGCCTATGTAAAA
ATATTTTCCCGTGGGTGGATGGGGAATGACTAATTTACAGGACGCGACAACCTAAACCT
TCCAAGGGGAAGGCGTCTTAAAGCGAAGCTGCACACACCGGTTCTCGCCGCGCGGGTCTG
AAGGCCGCTACAAGTCCCAGAGTGCTCCGCGGCGTGCGCTGCCGCGCGGAAGCGTCTC
CTGTGCGTCTGCGCGGGAAGTGAACCTGGCTCTGGGGAGAAGCGCGTGAGATCCGCGC
GGGTGCTAGCTAGTCTTTCTCGTCTGCTCGGCTCGCGGCCGTTGGGGTGGCCCCGC
>EP74156 (+) Hs RPL23; range -499 to 100.

GGGTCAATAAATAGAGCAATACTGTATATGTAATAACAGAAATGGTATGATACCAAGAAC
ACATAGATGGAATGATCTGCAGCACTTCTCAACTGTATTACATTCAACGAAACCGTTTAG
AGCTTGTTCTCCCTCCCTCCCCACTTTCTTTGTTCTTGGGGAACCCCCACACGGCACA
AACCGTGTTTAATTCTATTCTCTAGTGTGCAGATAAGTGCCTGGCACTATTAAGTGGT
CAAAAGAGGTCGTGAGCAAGTTAACAATCACTGTTTCCATGTCCCTAACTACTCTTAAG
CTCGTAGAGAAGATACTTCTATCTCTTGCCTTCTACCTCAACTCCCACTTCGCAGAGA
GGGCTAAAAGCGACGTCGTAACTTATTACGTAATAAGGCGAGCGCCAGAGGCGGAAGAG
GCCGGTTTTGCTCCGGCCACGTGAGGAGGGTGGGCGGGCGTTAAAGTTCATATCCAG
TGTCCTTTGAATCGACTTCTTTTTTCTTTTTTCCGGCGTTCAAGATGTGAAGCGAGGT
GAGGTTTTGTTTCTGGAGGATCCTCCACCATCTGTCTGTCAGTGGCTGGCGGATTTCGTCA
>EP74157 (+) Hs HIBCH; range -499 to 100.

CGGCTGTATTGGGTTAGGAATGAATAAACTACATCGATGTCTTTATCAACTGTAATTCC
TCTACTTGAGTCTCAAAGAATACTAAGTTTACGTTTTAATAAAAAATTACTAAAATTCCA
GAAAAGTCTTTCACATCAGTCCCTGCTGGTCAAATTGGCAGGCCAAGCCTAGACAACAGG
TTGCGCTTTGGGCTAAGACAGCCTCTAGAGGGCAATCTCTTTCTGCGAATCCGCCCTA
GTCCGTTCTATCTCCCTCTTCCCGCTCCGCTCAGCTCGCTCTCCGCTTCTCCCTGGC
CCGGTCCCGATCCCTTCTCTCCCTCAACTATTTCTCCAGGCGTCGTTCTTGCCCCGC
CCTTCCCCGTCGCGTAGCGGAAACGGTCTGCTCTGGCTTCTGGAGGACTTGTCTATCTGTG
CCCGGCGGCGCAGGACGGCGGTGGGCGGGGCTCACGCGAGGCGCTGGAACGGTCCGGGAG
ATTCTCGCTCTGCTGCTTTAGCTTCGGAGTGTTTGGCGATGGGGCAGCGCGAGATGTGGA
GGCTCATGTGAGGTGAGTGAGAGAGCGAGGGGCAAGGGCAGGCTCTTCAGCGGCACTC
>EP74158 (+) Hs RACGAP1; range -499 to 100.

ATACCATCTTTATTTTCCGATTCAGTGGAGTGCTTGTGATGATGTGGGCTCATTCAA
TGTGTGTCAAATAAAAGTCTGAATGGATACATCAATGGAAGGGATAATATAGCTCAGTGA
ATGTGCTTGAACCTAACTGCTTCTAACTCCTGGTATTCTTCTGATTCTACTGTGAGAG
CTGACATTGTTCAAGTAACTGTTTCCAAGGGCCCTAGTCCCGCAGACAGTGAACCAAGA
ATAATTGCAATTCAGGAAGTACCACTTGCCCTTAGTCAATATGGCATCCTGAATGACTTC
CGGAAAGGGCACCGCAAAAAAACCAGAAAAACCGTTGACATTAGTCAAAA
TGGCCACCTTTGGCTTCGCTTTGTGAGAATGCGCATGCTCATTCCCGTTCCCGTCACCTC
CGCGTGGCCCTGACGCGTACGTACACCGTAGAGGGACGCGCGGGAGGAATAAATTTCT
CTGTGATTGGTTGGTGAAGGTTTTCAAACCGGAGCTGTGGGCGCGGCGTCTGCGGT
TGGGTGAGGCGCGGAGCGAAGTGAAGGGTGGCCAGGTGGGGCCAGGCTGACTGAAGTGA
>EP74159 (+) Hs RAB11B; range -499 to 100.

TACCTATTTTTATATTTTACCTATGTGGCAAAATATAGGACAAAAGAGGGGTAGTGGTAG
GAGGTCTCTGTTGGAGAGCATTGGTATCCAGTAAGGATTTAAAGTATTTATTTAACAAG
AATAGCAGAAAGTGACGGTTGATTCACACTTGGTGCAATCTCGGCTCACTGCAACCTCC
ACCTCCCAGGTTCAAGCGATTCTCTGCCTCAACCTCCTGAGTAGCTGGGTTTACAGGCA
CCAGCGACCACGCCGACTAATTTTTGTATTTTGTAGTAAACGGGGTTTACCATGTTG
GTCAGGCTGGTCTGAACTCCTGACCTCGTGATCCGCCAGCCTCGGCTCCCAAAGTCTCT
GGAATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCTGGCTGATCTGGTTATTTTCAAAGATTCCATG
AGACGGGTTTTCTCAGTTTACAGAGGAGGAACTGAGGCACAGAAGGATAACCCAGTGAG
TCCAATATAGAGATGGAGACTGCAACCGAGAAAGGGGACCCAGCGCTGAGGTCCCCGGA

AATGGTCATTTATGGGCTTGGGGGGCGACACAGGGCAGCGCGCTGACCTATGACGTCAT
>EP74160 (+) Hs YARS; range -499 to 100.

CCCTCGCCATCACCTCAGGAGCTAGAACGCGCCCTTCTCGCAGCAGGGCGTGGGCTCCC
AATCCCTCCAAGGGGCGGACGGCGTGCGCAACCCCTGGAGAAGCAACAGGCGCCCCCAT
CCCCCTCCAAGCCGGTAACGCCACCCCTCGTCCCTCCCGCTCTTACCTCCGGAAGC
CGGGCCAAAGCTGGGCGAACGACTGCGCCTACTCCGCCCCCTGCGCCATTTTATCGCC
CCCTCCCCGACCTCCCCTACCCGAGTCAGCCGGGCCAACACCAGGGGGAGGGCAAACCA
GCAGTGATTGGCAGGAAACCGTCCCGCCTCTAGGAGGGTTGTGCCCGCTCAGGCGCCTC
AGCCCCGCCCTCCGACCGCCACCGTGCCCACTGGCTCCACCTTTTCCGTCTCATCGA
CCTGCTCGACTCTCTGCTGCTCCTCACTTTTCCGGCCGCTGCCGAGGGGTCCAGGCCG
AGTAAGCGGAGCGCCGAGCCAGCTGATGCAACCTGGCTGGACTCGCGTGACAGTTCCTCG
GCACGCGGGCGGACGGTGACCCAGGAAGGGGCTCTGGTGCCGGGCTGAGCGGGGAAGC
>EP74161 (+) Hs CCNB1; range -499 to 100.

AAGAATGTCTATTAAAGCCTTTCATGAACCTATATTATTGCTGCTACCGTAGAAATGGAAA
GTGTGCAACACTAGATCCAAACTACTTTTGACACTTCTGAGACTGTGGCCGCGCCTCTG
TCACCTTCCAAGGCCACTAGGCCTTTCCTGAGCTGGCATTGGCAACGCACACTCTTGCC
CGGCTAACCTTTCCAGTTGGGCGGCGCACTGGCTTCACTGCTCTCCAGGTGGCCGCTGCA
GCTGCCCGAGAGCGCAGGCGCAGAGGACAGCACGTGAGAGCCTGGCCAGGCCTTCCGCGC
CTAGCCTCACTGTGGCCCCGCCCTCTCGAACGCCTTCGCGCATCGCCTTGAAACGCA
TTCTCTGCGACCGGCAGCCGCAATGGGAAGGGAGTGAGTGCCACGAACAGGCCAATAAG
GAGGGAGCAGTGCGGGGTTTAAATCTGAGGCTAGGCTGGCTCTTCTCGGCGTGCTGCGGC
GGAACGGCTGTTGGTTTCTGCTGGGTGTAGGTCCTTGGCTGGTGGGCTCCGGTGTCT
GCTTCTCCCCGCTGAGCTGCTGCCTGGTGAAGAGGAAGCCATGGCGCTCCGAGTCACCAG
>EP74162 (+) Hs CS; range -499 to 100.

ATGATGTCACCTCCATGGCCGTGAAGCCATTAACCAAAGACATTCTCAAGAAAGCGCGC
CAAGGCGGTAGAAAGGATCAGGCAATGATCAGTTTCCATGATCATATTACGGAATTGGCTC
CAAGGACCTTCAGAGGTCGAGTCTTGAGCGTCTCCTTTAGCATTTCGCTCAGAGATAAC
CCCAAAAGTGTTAAGGTCAAAGGGAAAAGCCAAGAGGGAAAGTAACTGAGTTATCAGGCA
CCTATTTAGCCACCCGCACTTCCCCGCCGCCACCATCCACCTTAATTAGCCCTAATC
CGGGCGGTCCAATCCTCCCCGTCACTGCTGTCAAGGGCTAAGTCCCGCCCCGCTTC
CATACCGGACCAATGGCCGGGCGGGGAGAGTCCCTTGAGAGGGGCGGGCTCGGGTTCC
GGCCAGTGGGCGGGGCTCCTTGAGGACCCGGGCTGGGCGCGCGCCGCTTCGTCTAC
TCTTTCCTTCAGCCGCCTCTTTCAACCTTGTCACCCGCTCGGCGCGGCTCTGGTGCA
CGGCGGCGGCTCCTGTTCTCGCGCAGCTCTCTCCCTTTCTTACCTCCCCACCATCC
>EP74163 (+) Hs NCBP2; range -499 to 100.

AGCCCAGGATTAAATGTTTGCGCCAGGGCCCTCTGGCTACCTGGTGGTGGCCCCGAGCG
GCCTCGGAGGCCGCGGCTAGCTCCTGGGTGAAGGCGTCTCTAAATCGCTCAGCGCGGCG
GCACAGGGAGCCACGGGCCCAGCGCGAGGTCTGCAGGCGGCGGGCCGCTCTGGCC
CCGCACTGGGCTGCAGCAGTGCGAAGGCCGTGAGCTGCGCCGCACGTGGATAGGCCG
CGACTCTGACAGACGTTCCACCAGCTGCGGGCTGTGCAGCAGGGCGGCCAGCAGCCGCCG
CAGCACCATCTTCTCAAGCGCCCGGAACCCGACCTCGCCGCCCTCGTCTTCCGCCCCGC
GGCGCCCGACCCGACGTCTATGCCCGCGCAGCTTGATGACGACACGCCGCCCTCGGA
TTGGGTCCAATGAGATGCTCGCTCCGCGGTTTCCGCTTCCGCCATCGCGGACGCAGCC
TCGTGCCGGGAGTGCCTGCTTGTGGTCCGCTTCTCTGCACTATGTGGGTGGCCTCCTG
AAGGCGCTGCGCAGCGACTCTACGTGGAGCTGAGCCAGTACCGGGACCAAGCACTTCCGG
>EP74164 (+) Hs COX11; range -499 to 100.

CCACGGGCTGAGAAAATGCAGGTGTCTGGGTGCCATGAGGGCTGCGGTTAACACAGCA
AGGCTTCTGAGAGAGGTGATACTTGAACCTAAGTCCAGGGCAGTGAGCACAGGAGCCAGC
GGCCAAGGGACCCAGGAGAAAAGACCGGGAGAGCGTCGCCGGGGCTGCCGGGTGCGAG
ACAAAGGCTGGTGGAGTTTAAATAAAGATCACAGGCGCAACCCCAAGTGATGGCAAGCTT
GCACGCGGACGGGCGAAACGCATTTTCTAAATGTTAAGAGACGTTCTGGCGAGAAGCGA
AGTGGGAGTAACAGTCACAAAGCAAAACGCAAACTTACCCGTAATCTGGCAACCCGGCCT
CCGTAGCCCGACTGCAAGCGCTGCCACCTGAGGAGCCTGGTAGCCAAGGCAGCGGCAGGC
TCAACCCAGATCTCGCGAGACGGAGCACGCTCGCGAGATTTGACCTCTCGTCCCTGAGA
GGCGGGTGGGTGTTAGTTAGAGGGTTATGGGAGGGCTCTGGCGTCTGGATGGAGGTGC
GTTCTTTCTGTGGCTGGCGTGGATCCACCCTGGGTCTCAACCAGGGCTGCAGAGAGG
>EP74165 (+) Hs KRT8; range -499 to 100.

TTACAAGAAATGATAAAGGGAGTTCTTCAAGCTGAGAGGAAAGGATGCTAATGAGTAACA
CAAAAACATCTAAAAGTATAAACTCATTGGTACAATTACACAAATTTAGAATAATAGTA
TAATGGTGGGTCTTTAATATGAATGTTAAAAAACAAACTATTAAAAATAATGGCTGCAA
TAGGCCTGGTGGGTGGCCCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCA
GATCACCTGAGGTGAGGAGTTCGAGACCAGCTGGCCAAACATGGTGAAACCTCGTCTTCA
CTAAAAAAAATACCAAAATTAGCTGGGCTGGTGGTAGGTGCCTGTAATCCCAGCTACT
CGGGAGACTAAGGCAGGAGAATCACTTGAACTGGGAGGTTAAGGAGCCAAGATCATGCC
ACTGCACTCCAGTCTGGGCAACAAGAACAACTCTATCTAAAAAAAATAAATAAGA

CCAAGAAGCAGCTTCCCTGCTCCTTCTGGGATCTCCATCTGGTTTCAGCCACCTGCCTCC
ACTCCTGCATCAACCATGTCCATCATGGTGACCCAGAAGTCTACAAGGTGTCCACCAGA
>EP74166 (+) Hs ARL1; range -499 to 100.

GGTCCTCGTCTGCAGGCCACAGCGAAGACAAAAACCTCTGGTTACTGGCCTCAGGTGCA
AGGCTGCTCCGATTGGCAGCGCGGTACCATTCTATTATTATTACGTAGTCTTGTCTTCT
TTCTGGGAGAAAGCACCTAGGGAGAGTTGGGCTGGCCCCGAGGGCGCTCCGGGACACGC
GTCCTCTGCAACGCCGAGCTGCGCCAGCGTTGACCGGGACGACTCATCGAGGCCCGA
CTCGCATTTTTCAGTTGTCAGATTGCGCACTTTTTTGGTGTGAGAATTTAAACAAAAATTC
CAATTTCTCTATTTTCAAAGCTCTTTCTGTCCAGAAAAACAAGCAGGAGAGACTTCAG
GTTTTTGAATTATTCGTCTCTTCTGGCCTCCACGGTATCTACATCCAGTGAGCGGGGACC
GTGAGTCGAAAGCGACGACGCGGATGCTCAGGCCACCGTTCCCGGCGCGCAGTCGCAGCT
GACCCCTCGCTCCCGCCCCCGCTGGAGTCCGACGTGGAAGTTGCTGGCTGACTGGGCTTG
CGAGGAAACCGCTCGGAGCTGCAGCCGAAGGCCAAGGAATCACTGAAGATCGGCGAGGG
>EP74167 (+) Hs TCFL1; range -499 to 100.

AACACGGTGAAAGCTGTCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGTTGGGCATGGTGGCGGGCG
CCTGTAATCCAGCTACTCGGGGACTGAGGCAGGAGAATCGCTTCAGCCCGGGGACGG
AGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGTGCCACTGCACTCCAGTCTGGCGACAGAGCGAGGCGAG
ACTCCGTCCCTACGGAAAAAACCATATATATATATAAAATAAAAAATAAATAAAAAATA
AAATGTGTTGACTTAGGGTTATGGGGTCTTCGTACCACCAAGTGGACTCATTGAGCAAG
GGAGATCGCTGGGTACTAGAGCAAGCGGCCTAGAGCATCCGCGCAGGAGTAGGAGAGGCT
GAAGAGTAAAGAGGGTTTAGAGGGTGGGACTGGGAGTCTCTCGACACTCTGTTACTTCTG
CCTGTAACGCCGACTTCCGCCGCTGGTGGCCACCCGACAGGTAGTGATGTCGAGCGTCG
AGCTCCCAAAACCGAGCTGGTGAGGGGCTGCAGGTGGCGGCGCAGTCTCGGTAGGCGGTA
TGAGTTTGGCTGGGGGCGGGCACCCCGAAGACCGCTGGGAACCGGCTTCTGGGCTTT
>EP74168 (+) Hs DDAH2; range -499 to 100.

GGAAATCCTGGAGCACTTGTTCCGGGATGGTGTGGTGGAAAGAGGGGATGAGGGAAAGAAAT
GGGGGGCCTGGGTGAGATTTTTATTGTGGGTGGGATGAGTAGGACAACATATTTTCACTA
ATAAAATACAGAATAAAAAACAAGTGTTTTTACGCAATGGGGATTTAAAGTGTGGGCGAC
ATGGAATGAGGGGTGGGTGAGTATCTTGAGCTCAGGGCAGAAGCCAGGAATTAAGAAGG
GAAATGTTTGTGGTGGGGCTGCTATGTTTCGTGCCGGTCCGCCGGTCCGCCGTTGCGCTG
TTCTGAGGTCTACGAAGCGTTTGACGCCCGCTGCCAGGGCCGGCCAGATCTGGGTGGGC
CTGGGCAGCGCTCGCTGGGCGGTGCCGATTCTGGCAAGGGGGGCGCAGTCTGGATGTAA
TGGGCGAGGCTTAGCAGGGCGGAATGGGCGTGGCCGAAGAAGCCCCGCCCTCCCGCT
TAGACAATGCCCGGAGCCGCGCAGACCGTGCGCCCTGCCCATCGTAGTATATGAGCT
CGCTACACAAGGACCCGCGCTAAAAGCCAGAGCTCCCAAGTCCCGAGGCTTGAAGACGG
>EP74169 (+) Hs TCL1A; range -499 to 100.

CGCGCGGGTCTCTTCTGATCCATAAGATGAGGAGTGGGTCTGGCTCTGGGCATCCTGG
TGTCGACTGTGAGTTCCAGCAGAGGCCAGAGTCCCGGTCCGGCAGCCGAGGGAAGCGG
GGGGGTCTTCCAGAAGAAGAAAGGGCCAAGGTCAACCCGGTGCCTCTCCAGCAGCAGCAG
AGGGCGGCGGTGGTGTGCTGCTGGCCGGGGCCTCGAGGAAGGCGCGGGCCAGCTGGGG
CCGGGTCTGCGTTCAGGAGCTGCCACCGTTCCAGGGAGCAAGTCAGGCCGGGACGTAG
CGCTGCGCGGGACCTCACTTGCCACCAAGACCCCCACAAACCCGCCCATCCTGCCT
TACGCCCCGCCCAAGGTCTTCTCCGACCCGGGTCCCGCCCCAAGGCCGTCTCCCG
CCCCGCCGCTTGGTGGCGGCCGATGCTGCCCCGATATAAAGGGTCGGCCCCACATCCCA
GGGACCAGCGAGCGGCCTTGAGAGGCTCTGGCTCTTGCTTCTTAGGCGGCCGAGGACGC
CATGGCCGAGTGCCCGACACTCGGGGAGGCAGTACCCGACCACCCGGACCGCCTGTGGG
>EP74170 (+) Hs PPAP2C; range -499 to 100.

GGAAACCGTCCCGCGGGGCGGTCCCGCCGCTGCTCGTCTCCTTCTCCACGTCCCCGCCC
GGGGCTCCGCGGCCGACCCGCGGGGAACCTCCAGCCTCTGAGGACCTCACGCCGCTCG
GAGACCCGCACAGCCCGGGTCAAGGCGGGGACTCCGGGCGGACGAGGTCCCCGTGGCGCC
CGCACGCTCGCCCCACCGCTCTTTTGGGCGCCGCGGCCAGGCGGGGGCAGAGTCCGCGC
GGTCCCGGGTCCGCCGCGCCCCGCCCCCGCTGCTCCCTGCCGCGGCTGCCGTCCC
CCCTCCCTCCTCCCTCCCCCTTCTTCCCTTCCCTCCCCCTCCCCCTCCCCCTCCCCG
CCCCTAGCCCTCCCCCTCCTCCCTCCCCCTCCCTCCTCCCTCCCCGCCCTAACCTCC
CTCCTCCCCCTCCCCCTCCTCACCTCTCCCTCGTGCCCTCCCCGCCCTCCCCCTCC
TCCCTTCCCCGCCCTCCCCCTCCTCCTCGCGCGGGGCGGGCTCCGCGCCACGTGACTCCG
CGGCCGGGCGGGACGCGACGGGACGCGTGGGACCGGCGTGGGGGTGCGGGGACCAT
>EP74172 (+) Hs HNRPA1; range -499 to 100.

CTGCCCCGCAATTTACAGTGTCTCAGAGGCAGGTGGAATTTCTTAATGCGCCTGCGCAA
ACTCGCCATTTTACTACAGTGCGGTCAACAAGAGTTCATTGCAAAAAAATTGTACCTC
CTGGCTGCTTGCTAATACATAGTGTAATCATGCTTTGCCAAGCGACTTGACTGTAATA
TTTGCGCGTGGAAGATTAAAAAGATGTTAAACACCCAAGGTAGATTCAAATGTGAATGAT
TGGTGGTTGGCCAATCAGACTGGTTAAACAATAACATTACTCGGAACCAATGGACTCCA
AGGGGTGGAGACGGCGTAGAACGACCGAAGGAATGACGTTACACAGCAATGTGGCACCAC
AGGCCAATAGCAGGGGGAAGCGATTTCAAGTATCCAATCAGAGCTGTTCCAGGGCGGAGT

CTACCAATGCCGAAAGCGAGGAGGCGGGGTAAAAAGAGAGGGCGAAGGTAGGCTGGCAG
ATACGTTTCGTACGCTTGCTCTTTCTGCCGTGGACGCCCGCAAGAAGCATCGTTAAAG
TCTCTCTTCACCTGCCGTATGTCTAAGTCAGAGGTGAGTTAGGCGCGCTTTCCCACTT
>EP74173 (+) Hs ART3; range -499 to 100.
TGTATTTTGGTTAAGTATGCGTATTCATGTTTTTTATTAGATTTTGAGTGCTTTTTAGTA
CTTTGTTTTACTTGCTTATGTATCCCGACTCCTGACGAGGTACCTGAAATATAGTAAGCT
AGTTGAGCGAATGGTGATAGCTGTCAACCATTGCCAGTGATTAACAGAGCAAGTTCCCTA
GTTATGTGAATCACTTAGCCTAGAGTAAAAATCCATGCTTTAGTTTGATATCTCAGTGTC
AAGGATTAGGAATGGGAAGTCATTTCTCTCTGAGAGAAGCCAGAACTGTGGGCTCAGAA
CTGAATGTGCTGTGTGGCTAAAGGGAATTGCTATGGCTTTACAAGCCTCTTGAGATTTA
AAGTGTTAACAGCAGTGATTCCAAGGCATAGTGTGGGGGGCCAGATATAAATAGCAGAA
CACAAGTAGCGTAGTGTGCCACTGCCAAGCTACTGCTGGGGGTGTTTATAAAAAGAAAAAG
CATTCTGTCTCAGCTCTCACTGTCAACAACATCCCATCCTGAAGACTTGCTTACCACAA
CTGAGAGTGGGGAGTCAGTTTGAGGCCTAGCATCACTTAAACTTCCTCCAAGGCACAAA
>EP74174 (+) Hs PSMA4; range -499 to 100.
GCTGGGATTACAGGCATGAGCCACCCGGCCTTCCTCATCATAATGTGTATGTCCAAATG
TATGCTACAGCAGTAAAAGTGAAAGCCAGAATGAAAAAGGAAGGTGATGAGAGGGGTAAA
GTCTCATGTGGTTGGAACCATTTTTGGGAAACAGGACAGGAATGATAGCAATTAAGAAGCC
GGTCCACACTATTTGCTATCCTAGGTCTGAATAGTGAAGAGAAAATGAAAGGAGAGCGCC
AAGGGTAAGAGAAAAGAAATTAGCTATTCCACCTCCTGGTTGGCTACTGTCTTCTGCCCT
CTTCCCCATGGCAGCAACTCCTCCACCTGCTGAGGACCCTAGCCTAAGCTGCAGCGCC
CCAGAGCCTCAGCACCCCCGCGACCCAGCTCCACGAGGGGACGCGGTCTAGCTCCGCC
CCGCAAGAAGGACTTCCGCGTCTCGGCCGTCGCTCCCCCGCCCCAACCCAGCGGTT
CTGCGCATGCGCGGGGGCCATATTAGCAGCGGTTATTGCGTGAGCGGTGGTGGTTTATTC
TTCCGTGGAGTTAAGGGCTCCGTGGACATCTCAGGTCTTCAGGGTCTTCCATCTGGTGAG
>EP74175 (+) Hs STUB1; range -499 to 100.
GGGGGCGGGGCTCTGCTGATGGGGCCGGCGGCTGGGGGCGGGGCTCTGGATTGGGCGG
CTGCTGGGGGCGGGGCTCTGCGGATGGGGCCGGCTGCTGGGGGCGGGGCTCTGGATGG
GGCCGGCTGCCGGGGGAGGGGTCTCTGCGCGTTGGGACAGGGGCGGAACCCAGGTGGTC
GGGACAGGCTGTTGCGGGAGCGCGCCCTCAGCGAAGCAAGTGAGGCATCTCACTGGGAAA
GTCGAATGTGTGTGGCGGCCGCCGCGAGGCGGGTCCGAAGAGACCTCAGCAGGGCAGG
CCAGGGCCTACGCGAACGCCACCCCTTAAGAGCGCGGGGACAGGGAACGGAGCGTTCTCT
CCCAGCCCCGACGTCGCGGGCCCACTGTCCTCCGTCAGGCTGGTTGGGCGCACGGCGCG
CCCCACTCGCCCCACGCGTGGTCCCCGCTGGTCCCCCGCCCCGGCCGGAAGTTCCGCG
GCGGAGCTGGGCGGGGCCGAGCGGATCGCGGGCTCGGGCTGCGGGGCTCCGGCTGCGGG
CGCTGGGCGCGAGGCGCGGAGCTTGGGAGCGGAGCCAGGCCGTGCCGCGGGCGCCAT
>EP74176 (+) Hs RPS3; range -499 to 100.
CCCCACCACTCCAGCTAATTTTTCTATTTTTAGTAGAGACGGGGTTTACCATGTTT
GCCAGGCTAATCTCGAATCTGACCTCAAGTAATCCGCCCGCCTTGGCCTCCCAAAGAG
GAGTCTTAAATGAGTTTCACTGAGGGATTTACGAGATTTTCATTACAGTGTCACCCCTG
AAAGTGATAGGGCCAGAGTTCACGCTGGTTAATCTCTCTGCTGTGTGAACCTTATACCT
GTAATTTCCACCTCTGCACCTCACATTGCTTGTTTTGAAACTATGAGAATTGAACCTTAA
GGTCCCCCTGAAGTTTAGAAGTCTGCTGGATGAAGCCCCCTTCTGTTCTCTGCCTACATT
CTTCTTTCCCTGGACGCTTACTTACGTAAAACTACATTTCCCATGAGCACCCACAGGC
GTGCACGCAGCGCAGCCCTCCGTCGTCGCTCGCGCCCTTATACTCACTTCCGCCGCGA
GCCACTTCTTTCTTTTACGCGGAGCGCGGCGGAAGATGGCAGTGCAAAATATCCAAGAA
GAGGAAGGTGAGCCTCTGGGACTGGGTTCGGAGAACGACGGCGCCGCGGGTTCGAGGG
>EP74177 (+) Hs PTTG1; range -499 to 100.
ACGATCAGTTCGTTCTTAATCATAGCATAAAGAGAATGACTCAAACGCTGCTGTTTGATC
TACCTGTACTTACATTTCTTCTAATTTTAAATTCTTCTGCTAGTATTCTTTAGACCC
AACATTGGTTGTTTCCCTATTTCTTCAATATTTCTATTTATTTTCCATCCTTTTTACAG
GGTCATCTAAATAAAAAATATCTTAAAGCAATAAACCATTTGTTATTGAGTCAGTACCTCAG
TCCATGCAGCTTAATAATATGGAGAGCAAAAAAAAAAAGCCTCTCGATTTATTTTTTAAT
ATTACACGATCCTAGTTTTTTCTTCCAGAAAACGTGCCACAAAGTTTGAAGAAAGAGC
TTTTGGGGCGGAGCCCTGGCTGCTTAGGTCCTTTCCATTGGTTCTACTGGTGACCACGC
CCACGGCCCCGCTCCTGGGCGGAAGAGCCAATTGGGCCGCGAGTTGTGGTTTAAACCAG
GAGTGCGCCGCGTCCGTTACCGCGGCCTCAGATGAATGCGGCTGTTAAGACCTGCGTGA
GTGAATGGGAGGGTCGCGGGTGGTTAGTTGAGCCGGCTCCGGCGGGGAAGGAGGCGGGCT
>EP74178 (+) Hs RTN3; range -499 to 100.
ACACAGCCAGTGAGATTCAAAAGCACCTTGACAGAGTGGGCTACTCTACACTCTGGTTT
TCAGTTTTTTATTGGAGTCACAGGTGGGAATGCATCAAACAAAAGATATAGGCTCTGGAAT
GTACGGGAAAGAGAGTTTCCATAATGGAAGCCCAAAGACATTTCTACCGTTAAAATACAT
AATCTGCCGACCCTAAAACATTACATAAAGAGGCAGGAGGGAATACTATCCCGCAGCTC
CACGATTAGCCGAGTCGTGGGCGGGGATTGGGGCTTGATACGCCTTTTGCGTCTGGTC
CCCAAGGGACGCTCCCCAACCTCGGCGCGGAGGCGCCGCTGAGGCCGGCTTTGCCCC

TCCTTCCCTGCAAGAGCGCAGAGGAGCGGTTCTTGCGCCTGCGCCCTGCGCCGCTGCGCG
CTTTGGCACCCGCTTGGGGCCCTTTGTGCGCATGCGCGCTCGCGCTCCCGCCCTCTAGCT
GCGCTCGGCTGAGTCAGTCAGTCTGTGCGAGTCTGTCTCGGAGCAGGCGGAGTAAAGGG
ACTTGAGCGAGCCAGTTGCCGATTATTCTATTTCCCTCCCTCTCTCCCGCCCGTATC
>EP74179 (+) Hs RNASEH2A P1; range -499 to 100.

GGGCCGAAGGGAGCAACCAAGAGAGGGAGTTTGGGACTCCAAATCCAAAAGCCTGGGTT
TAGTGGAAGCGGGGCTACCTGGTCCAGGGGACTTAGAATGTGTACAGAAGCAGGGACCGC
AAGTACAGGGCCTGAATCCAAGTGGCAGTTGGGGACCCAGTGATGCGGTGACCCGTGTCC
TGGGAGTGGGGTGATATTTGACTCTCTAGTTCCCGTTAGGCTGGGTCTTGAAGCTACG
TCTCAGTTTCCCTCTTATTTCCCTCTTCCACCGGGCCACGCAGGCGGGGCCAGAG
ACCGTGAAGCAGAGCTTGCAAAGTGACCCCGTCCACCGAATTCCCAAGCTGAGTGTTCCG
GCCATAGCCCTTCGGGACTACAATTTCCAGGAGGGGCGCACGGCAGCGACGTGCGCGTCGG
CTGCGTAAGCGTCCACGGCGGCGGGAGCGCCAGGGGCGTGTCTGCCCGCGGATTGGCCG
GAAGCAGGCGCCGCTTCGAGGCCCGCGGAAACGCGCGCCGAGACCCGCTCTGCAGTAT
TAGTTCTTGAGCTGGTGGTGGCGGCTGAGGCGGCATGGATCTCAGCGAGCTGGAGAGAG
>EP74180 (+) Hs RNASEH2A P2+; range -499 to 100.

AAGCGGGGCTACCTGGTCCAGGGACTTAGAATGTGTACAGAAGCAGGGACCGCAAGTAC
AGGGCCTGAATCCAAGTGGCAGTTGGGGACCCAGTGATGCGGTGACCCGTGTCTGGGAG
TGGGGTGATATTTGACTCTCTAGTTCCCGTTAGGCTGGGTCTTGAAGCTACGTCTCAG
TTTCCCTCTTATTTCCCTCTTCCACCGGGCCACGCAGGCGGGGCCAGAGACCGTG
AAGCAGAGCTTGCAAAGTGACCCCGTCCACCGAATTCCCAAGCTGAGTGTTCCGCCATA
GCCCTTCGGGACTACAATTTCCAGGAGGGCGCACGGCAGCGACGTGCGCGTCGGCTGCGT
AAGCGTCCACGGCGGCGGGAGCGCCAGGGGCGTGTCTGCCCGCGGATTGGCCGGAAGCA
GGCGCCGCTTCGAGGCCCGCGGAAACGCGCGCCGAGACCCGCTCTGCAGTATTAGTTC
TTGCACTGGTGGTGGCGGCTGAGGCGGCATGGATCTCAGCGAGCTGGAGAGAGACAATA
CAGGCCGCTGTGCGCTGAGTTGCGCTGTGCCCGCGGTGTGCCGCAAGGAGCCTTGCGTCC
>EP74181 (+) Hs ELOVL1; range -499 to 100.

CCTAACGCTTAGGGCTCCTCCAAGTGTACAGGCTCGTGAGGCTTCCCTCCCGCTAAGACC
AGTGCGCCCTCAGCACACGCAAGTGTGGTCTCGCCCGCGCTCTGCGCTCGCCCTGCAGGA
GAGGGAGCTCTTTGAAGGCAAGGCCGAACCTCCCCGAGCCCTGAGCTGGGCCTGCCGCC
ACAGATGTGCAGTCTGCCGGGAGCAGTCACCCGGGGACAGGGCCGGGCCCGGGTGC
ACGTGCGGAAGAGACAGCGTGCTCTGAGGTGGCCAGGCCGCTGCAACTGGCCAGGGCGG
GCCCGGGCGGAGGGAAGGGTGAGGAAGCCCGGGCCGCGCGCTTCTGCTGGGACCCG
GCGGCACGCCCTGCCCCCGCCCCGCGCCGAGCCTGCGCTGCCGGCCTCCGGCCCTGCCGG
CCGCCCAATCAGCGGGCGCCCCCGCGCGCCCGCCCTCCCCCTCTGGTGACAGAAAGT
CGGCCCAGCAGATGAGGAAGTGGCAGGCAGGCAGGCTGGCCCCGGGGACTTCTCTTGGC
CCTGCTCCCTCCGAGCGCTCCGCCGTTGCCCGCTGGCCCTACGGGTGAGTCTGGACCT
>EP74182 (+) Hs ZNF289; range -499 to 100.

GAGGGGACTCGTGTCAGGCTTGTGTTAACCGAGAACGGCTGAAGGCTGGGCGAGACGC
GGGCCAATGCGTCTGCCGTTTGGGCCGGAGGGACGAGGAGTGTGGGCGAGCCTAATCC
TTATTCATCGATCTGTAATTAGCTGGAGTGGGGTCCCCCCCCCAGCCTCCCGCAGCCT
GCGCGGCGTGGGGGCGACTCCACCTGGGGGTTGCGGCGTGGGAGGGGCGGGGGAAGGGT
ACTACGCGCGCAGGAGGTTTGGGCCGGTCCGCGCGCCGTGCGCCCGCCCCGGCTGCGGA
TTGGCCCCGGCGGGCGTTGATTCTTGCGGCCGCGGTTGTGTCGCGCCCCCGTCCCGCC
GGCTGCCCATTTGGTCCAGATCGGACTCCAATCACCCACCCCTCGGCTGGCCAGGCACC
GCTGAGGCCGGCCTGGTGAGCCCGCCCTCCCCGCGTGGATTGGCCCGCGGCGGGACCCG
TCAGCCGCGGTTGTGTCTGGGAAGGAGAGAAAATGGCGGCGGAGCCGAACAAGACCGAAA
TCCAGACTCTTTTAAAGAGCTTCGCGCAGTTCCAACCAACAAGGTGCGTGAGCAGGGGG
>EP74183 (+) Hs NUBP2; range -499 to 100.

CAGAGCCGAGACGTGCGCCCGTGCCCCGCACTCACCTGCAGCCCCGCTGCGCGCTCC
GCCGGCCCGGCCCTGACCCACTTTCCGCCCCGAGCGAGACGTAAACAATCCCCGCCCCC
TGCGCCCATTTGGCTCCGGCGGCGAGGGGCGGGCACACCTGTCTCGGAGCTTCGGGAGAGG
GGGCGGGAGTCGGGTGACAAAGCTATTGCCGAGAGGTTTCAGGAAGTGTGAGTCTAATC
CAACGTTCTATTGGTCAGTTCCAAGCGGTTGGAGACAAAGCTCGCGCGCACATTGGAC
CCGGGTGGGAGGTGGTACCGCAGGCCGCGTTGACCGGAAAGTAGGTCCGTGTCATCGTCT
GCGCCGGAACCTGCGGGACCGGATCGAGAGCTCTCCGGAAGCTGATTGGCTGGGACAG
CAGGATTAGGCTGTCAAGAAGAGCCACGGGCGGGCACGCACTGCCCATTTGGTTGGAAGG
CCCTTCGCTCTAGCTGGGAGGCTGACGGCCCGCGGGCGTAAGCGGACTGCAGCCGCGAGC
TCCTGGAGGCGGCGGGATGGAGGCGGGCGGGTGAAGTGGCGGGCCAGGGTGCGGAGCCG
>EP74184 (+) Hs SSSCA1; range -499 to 100.

AAGGGAGAATGCACCCCTCTTGCCAGCCTTGCCGGGCGAAGTGAGAAGTACTGAGGCCT
GAGAAGGCTCCACGCGTGCGCAAAGGGCCGCTCGCTGTGATTACTGGGGTGGCGATGGTT
GTGATGACGCCGCTGCCCCGCTGCGCCGAAAGGGAACCCAGGGGAGGCGGAGGCCAG
CGGGGATTTCTGAAGCCAAGTGGTCCCTTCATCCACGACGGACAGGAAGGGCGACCCCG
TGAGGCCACTTCCAGGTCTTGCGACCGGAGGAGATTACCAAGGAGACGCTCTCCCGAG

GCCTCGCGCGTCGGAAGCTTCTGTCCCCTGGATTCCGGTTGACGGACGCGTCCCCGAGC
AGGTTCTCGGTAGCAGCCGACACGCCCCACCCGGGCACAGCGAGGTCTGAGGACCACGC
TAAGGCGTCACGTCCGCCCTGATCCGCGGAGCTATGGAACGGGCGGAGCCGAGCGGAG
GGCGCTCCGCTTTGACGTCACTTCTGTGAGCCGCGGTTGACAACGGCAACATGGCCCT
GAACGGAGCTGGTGAGGACCTGGGCGGAGGGGTTTGTGGCTGTGAGGTACGGGAGGCGAG
>EP74185 (+) Hs FTSJ3; range -499 to 100.

CCCGGCCCGCTCTCCACTCAGATCACGCTCGTCCGCACCCAGCCCCGTAACTGCCGGG
CCGCCACTGCACCCGCCATACCTGCTCTGGTCCGTCAAGCGCCATCTTCTCTTTCAGCA
GAGACCGCCGGCATCCGAGCCGTCTTGGCGCGCAAGCGCGGAAGCGGAGGATTGGGACCT
GAAGACCAGGCAGAGAAGAATTCCGGGTCAATGGGCGGGGTGTGCGGCGAGACCACACTA
AGGGAACCATGATGGGAGGGGCGGCTACTCGAGTTCAAGGGGCTTTGGAAGGGGATGAGGA
AGGAGTAGAACTCCTCCTCAGTGTTCCTCATTGAACTCTGTTTATAGTTCTTGTGATA
TGCCTTCTAGTCTCAACTTTCAACTTACAAAACCAAGGACAGAGTATTGAGAACAATC
TAGGGCCACACTCAAAATGGCGGAAAACCTCGAGCCAGGACGCGAGGGGACGCAAGCGGA
AGCGGAAGTAGTTAGCTGCATACTTGTGCGGTTCCAAGTGTGGAGAAAGCGGCTCTGGGT
CTAGGTAGTGTGCGGAGAGGGGCGCGGGGTGGAATTGCTGCGGGAAGTGGGAACTGGAA
>EP74186 (+) Hs TOR3A; range -499 to 100.

AGCTGACTCCCCCTGGCCTGCCTAACGCTCTGACTGAGACGGTTTTCCGGCTTCTCTAA
CAGGTTGGCGGGAAGTTGATCTGCAACGCGAGGCAAAGCAGGAGTGTCTTATTTCGGTA
GGCCTCTGATGGGCCACCAGAGCCGTCCGAAAGTCTAGCGGAGTGATTGACAGTGGCCA
TTTCAAAGCCTGAGTTCACCTTCTTTGCAACCACAATCACGACCCAGAATAAACTGCTTC
CTGGAAGCCGGTAGTTGCACCTGGCCTGAAGTCAGTCTCGGGACTGCCTCTCAGGACCC
CAGACAGGGTTTCGGGTTCCCGCCTGGGTACGTGTACGGAGGCTGCCAGTGCGCACTCA
GCCCCGGCCCGCGGTGCGCACAGCAACACCAATCCCGGGTTCAAGCCCGCCTAGGAAGTG
CGGTCCCCGCTGACCGCCCCGGGCTTAAGGGAGCCTGGCTAGGCCGGCAGCCGGATGGT
CCCGCAGCTCGGGGCGCGCATGCTTCGCGGTCCGTGGCGCCAGCTTTGGCTCTTTTCC
TGCTGCTGCTCCCGGCGCGCCTGAGCCCCGCGGCGCCTCCAGGCCGTGGGAGGGAACCG
>EP74187 (+) Hs PLGL; range -499 to 100.

CTAAGACCTGAAAGGGTTTTGTCTATCAGCTGCACCCCTGGGTAGAGACACAACCTTGGG
GAAGGCCCTCAGCCCCATCCCTCGTACAGCAGGAATGAGAACAGCCCTGCCTGTTGGGAAG
CTTGAGGGAGGCTATGGACGTGCAGCGCTTGGCAGAGGGTCTCGTCATGGAAGGTCCAG
CAAATGTGAGATACTTTTATGATTTTCAATTTCTCCAAAAGAAAGGGAATAAGAGAAGAGG
GGAGGAAATAAGACTAATTGCGAGAGATAAAGTACAAGGGTGAGGGAAGGAATAAGGAGA
CATGACGGCAGCGTGGAGCAGCCGAGGGGGGAGATTGCTTTACCACTTCCAGCATCTA
TTGCAGATTCCACCCTCAAACATGTTGTAAGGACTCTTTATTCAAGGTAATGTTTGAACC
CTGCTGAGCCAGTGGCATGGGTCTCTGAGAGAATCATTAACCTAATTTGACTATCTGGTT
TGTGGATGCGTTTACTCTCATGTAAGTCAACAACATCCTGGGATTGGGACCCACTTTCTG
GGCACTGCTGGCCAGTCCCAAAATGGAACATAAGGAAGTGGTCTTCTACTTCTTTTATT
>EP74188 (+) Hs NUDC; range -499 to 100.

AGCCTTTCTAAGCCTGGGTGCTGTGCGACTGCAATTTGTACTCCCATGAAGCTGGCCCTA
GTCAAGTACGCAGTGAGGTGATGAGGAGGAGGCTGTCTGTGGTAAGTCCCTTCTAGGA
TTGGAAGAGATGAGTAAGGCTACTTTCACTGCTCTACAAGCTGGGGGGGTGCGT
AGCAAGGGAGAGGGGCAAAACTTGTCCCTTTTAACTTCCAACCTGCCAGATTTGAGTC
CAGGGCTTTCTAGAAGTCTCCACGGCATCGGGTGACCATAGCAACTCATGCCAACTCTC
GGGCCACGGCTCCGCCTACCGCTTCGTGGACGCGCTTGTGATTGGCTCCGAATGTGCA
CCAATGGTCGGCGAAGCGGGTTGCTTGCCGACGGTCAATGGCCGCAACCGGGAGGAAG
GCGGGAAGAGAGGAGGTGGAGGCGGGCCTGGGCAGCCGCGCGCTGCGTGTTCGGGCTC
CGCTGCGGAAGGCGGACGACTAGAGTCTGTTGGGCCGCGCGACCCGAGGAGCGTAGAG
AGCGCGGGACTAGAGTGCAGAGCTCCGGGACGTGGATCGGAGCCGGCGCATGGGCGGAG
>EP74189 (+) Hs GSTZ1; range -499 to 100.

GGCCGTTTGGGGCTTCGCGCCACAGCCTCAGCGGCCACGTCCCGGCCCTGCGGCCCTAGCA
GCCTGGGGGCCACAGCGGCCCTCCGGGGACGCGAGCTCGGACTCTGCCAGGCCTCCGCCC
GTGGCCGGCGGCATCTTCCCCCTCTCTGGGTGCGCCTCCGGCCCGGAGGCACACTTTGT
CTGACCAGCCGCCCCGCAAGGAGTCACAAGAGGGCAGCTCGGGGTACCCCGGGAATGC
AACGCCCTTCACTGCAGCGGAGCGCGGGGCCCCGGGCTCGGGGCGGGGCGGGCAGCGTGG
TCGCGGCCCGGGCCGCTAGGAGGCGGCAGGAGGCGCAGAGCATGTGCGGACCGGGAGGGC
CGGCCGGCCCCGGGCGGGGGGACTGGGCAGGAGGGGTGCGGCTCAGGGAAGTGAACCTC
CCAGCAGCCCCAGGTACGGGCGGTGGCGGAGAGCTGGGCGAGCCAGAGGCGACCGGAA
GGATCTTTCTAGTCCAGCCCCCTGCTTTACCCGGACGAAAGACACGGGCTGATTCTGTCG
AGTCTCACTGAGCCTTAGTCGTGCGCAGGTCCAGGCGCGAAGTTTCTCGGCCTGGAGGA
>EP74190 (+) Hs DPAGT1; range -499 to 100.

TTGGCAACAGTTTTCTGCAAGAAACAGGCGCGTCTCCACACCCTCGTCCCTCCTCCCCA
CCCCCTGCCTTTCAATAGCCATCTTCTGGAGCCGGAGGCATCCAGATTAAGGGAGAGG
TACGGGCCCTTTAAGCTTGACCTATGGAGGCGGACGGAGCTAAAAGTACGTGGAACCGG
AATGTGAGCGGTGTGAGACACGTGTTACAAGGAGGCATTATCTTGAACCGGGCAATTG

GCATTTCCGCTCTGGGTAGTACATCTTTAACATAATGTTAGGGAAGTATCCGTTCTTGCC
TGCCTTTCTTTAATTGCGTTTCCAGTACTCTCTCGGTGATTCTACTCTTGAACATAGGAT
GAAATTTGGAATCACACTTCTCTTCCACTTCCATCCCCACCCTCTAATGCCCATTATTA
AATGGCGGCCCGCCTTCCGAGTAATGGTTGTTACAGCAACAAGATCCGGGCGGAAAC
AGTAGATAGCGGGTGCAGCGGGGAGAACATAGTTGCCTTAGAGAGGTTCCCCGGTGT
CCCCGACGGCGGCTCAAGTCAGAGTTGCTGGGTTTTGCTCAGATTGGTGTGGGAAGAGCCT
>EP74191 (+) Hs TSTA3 P1; range -499 to 100.

TTGTTTGCTGCTTGCTGCCCCAGCCTGGGCGTACCCATGGGCGCGGGTGACAGTGCAAGT
GCTTGGGACGACAACCCGGGCTCCTCATCGCGGCCGGAATCCAAGAGGCTGCGGCGCGAG
GTCTGCGTATTCGGGGGCGGAACCTGGGAGGGAAGGGGAGCAAAGGGAGACGCCGAGC
GTAAGCCCGCTGGCCCCAGCGCCGGCGAGGCTCCTTCCGACGCGCGGGCATCCCCGCGC
GGCGCTGCCGGCTGGCCCTCGTCTCGTGTCTTCCGCCGTCCCAAGCAGGGCCTGGGCCC
AGCGCCCCCGGGCTAAAGAGGTTGCGGCCCGGGACTTCGTCCGGGGACCCGCCGCGCG
CGGCCGGCGGACGAGACTGCGCTTCCCAAGCGGCTTTCGGGCCGCGGACTCCAAGTCCCA
GCTGTGCCGGGACGCTGCGCGCCCCCGGGACTCCATTTCCAGAGTGCCCCGCCCCAGC
CTCCCGCCCCCGCCCCACCTGGCTCCGCGGGCAGCCGGAGCGCACCCGGCCGGAAGCC
GCTGTGCGGGAGCCGGCGGTGGGCTGGACGCAGGTGAGGTGGCACCAGCTCAGCCGCG
>EP74192 (+) Hs TSTA3 P2+; range -499 to 100.

TGCAAGTGCTTGGGACGACAACCCGGGCTCCTCATCGCGGCCGGAATCCAAGAGGCTGCG
GCGCGAGGTCTGCGTATTCGGGGGCGGAACCTGGGAGGGAAGGGGAGCAAAGGGAGACG
CCGCGAGCGTAAGCCCGCTGGCCCCAGCGCCGGCGAGGCTCCTTCCGACGCGCGGGCAT
CCCGCGCGGGCTGCCGGCTGGCCCTCGTCTCGTGTCTTCCGCCGTCCCAAGCAGGGCC
TGGGCCCAGCGCCCCGCGGGCTAAAGAGGTTGCGGCCCGGGACTTCGTCCGGGGACCCGC
CCGCGCGCGGCCGGCGGACGAGACTGCGCTTCCCAAGCGGCTTTCGGGCCGCGGACTCCA
AGTCCCAGCTGTGCCCCGGGACGCTGCGCGCCCCCGGGACTCCATTTCCAGAGTGCCCCG
CCCCAGCCTCCCGGCCCGCCCCCACCTGGCTCCGCGGGCAGCCGGAGCGCACCCGGCC
GGAAGCCGCTGTGCGGGAGCCGGCGGTGGGCTGGACGCAGGTGAGGTGGCACCCGACTC
AGCCGCGCCCTGGGCCCTGGATGCTCCGTGAGAGTCAGGGAGCGCTGTGGGGGTCTGGGA
>EP74193 (+) Hs APG12L; range -499 to 100.

GTTGAAGATTAGGATCGCCTTGATCATGGCTGTGCCGGGCCGACCGGGTGGGCACTGGGG
GCCAGGGCGGGGGCGGGCGCGGAGCCTCGCTCGTAATCTCGCTGCGATCCTTCCCCA
CCCGCCCCCTCCCGACGCGACCGCGCGCTCCCGAGCCGTGCGGCGGGGCCAAGGGG
CGGGGCTGGGCGGGGAGGCACTAAGGAAAGCGGAAACATTTCTAGGTCCGAGCCAGCG
GCCTAACTGGAGTGTGCGCATTCGACCGAGCACAGACGTTGCCACCGCTCCTCTCCC
GAGGTCTGTAGTCGCGGAGAAACACATGTTGCGTTACTAACGTTACAGAGGTCTGCGACAG
CTTCGATTTGAATGACTAGCCGGGAACACCAAGTTTCACTGTGTAATTGCGTCCCCCTAC
TCCGGCGCTCCTTTGCGACGCTCCCTGGAGAAAAGCACGCCCACTGCACGCGCTCAGTC
GCTACTTCCGCTCTCGAGTGTCTCAAGCAAGATGGCGGAGGAGCCGAGTCTGTGTTGC
AGCTTCTACTTCAATTGCTGCTGGAGGGGAAGGACTTACGGATGTCTCCCCAGAAACAA
>EP74196 (+) Hs APOC1; range -499 to 100.

AATTGGAGGTGGCACGCAGGGCAGGGTTGCGGGGCCAACTGGGAGGCCCCAGCAACATAA
AGGAAAAGTTGTTGGGGCTGAGGAGGCTTGCTGAGAGAGGGGAAGTGAGGGAAAGAGGTG
ATCTAGGGACACGGTGTGAATGAGGGGGGGATGAGATCACAGGGTTATTACTGGGAGACC
CCTGAGGGAAGATGGCCACAGGGACAGGACGAGGCTGTCTCTGAGTGGGGAAAGGAGCT
ATGGTAGTCTGAGGACCCCCAGAGTCAGGGAGATTGGGAGGTGAGGGTGCTGAATGGTA
AAGGGCTTCGGAGCTAAGGGAATGGTCAGGACCCACCTGACCCCAACGCCACGGGCC
AGGGGCAGAGGAGAAAAACCTGGGTGGGAGAAAGGAGGCAATCTTCCAGGGGAAGGCTCA
GGAGGAGGGAGATCAACATCAACCTGCCCCGCCCCCTCCCCAGCCTGATAAAGGTCCTGC
GGGCAGGACAGGACCTCCCAACCAAGCCCTCCAGCAAGGATTCAGGTTGTTGAGTGCTTG
GGAGGGACACCCGCTCCACTCTGCAAGAACTCATAAAGGGAGATGAGGGGATCGTGGGA
>EP74197 (+) Hs GPX2; range -499 to 100.

GTCATCTGAGTCCCATGGATAGGAGGCTCAATTCTTCTTCTCATCTTTCAGATCTCCGCA
GACCTGCCCTCTCACTGTACAATTAGAGATTGACACTCAGCAGGCATTCAATAAACGT
CTGTGTCAAATGAGAACAATTGATGGGGCAAGTAGGAGTCAATCCTGCATCCCTCCCTC
CCTTTTTTCTCTCCATTCGACCTTTAGGGCTCTGGTTTCCTGTAAGCAGTGAATTATT
TACCTCTGCTCATAGATATCAAATTGGCCCTTCCAGGTTGCAGCAGGGTGGGGCGGGGA
GGCGGCCTTGTTAGTCTGTTAATAGGAGGAGCAACCTCCTTGTTCAAACAGCACTTACA
GGTGGGGACCTGTTTTTGCTAAGTCATCCTGGGGATGCTCAAAGCTCCATTGTTAGATCC
TTTCTGTCTCTTCTTCTGGCTCCTCCTTCCCCACCCCTCTAATAGGCTCATAAGTGG
GCTCAGGCCTCTCTGCGGGGCTCACTCTGCGCTTACCATTGGCTTTCATTGCCAAGTCTT
TCTATGACCTCAGTGCCATCAGCCTGGATGGGGAGAAGGTAGATTTCAATACGTTCCGGG
>EP74198 (+) Hs GPX4; range -499 to 100.

TGTTGTCCAGCTACTCGGGAAGCAGAGACGGGAGGTTGCTTGAGCCTGGGAGGTCGAG
GCTGCAGTGTGCCCTGATCGTGCCACTGCACGTTAGCTGGGCAACACAGCAAGACCCCG
TGCTTTAAAAAAAAGGTAATAAAGAGTTGGGGACACTTTTCTGCGAGTTGGAGAAAC

CAAACCCCTCGACGAGTCTTAAGTAGTATTCTCAGGTTGTCTGGCCTGCGGCCGCGCTG
CTGTCAACACGCGGATAACTGCGCTGCCTCCCGACGCGCGCCAGCCAGGCCACGGCCT
CCTAGACACAAGCGAGCATGCGCAGTCGCCAACAAACAAGTCCGCACGTCCGGTCCCGCCC
CCCCTTCCCGCCTTCTTCCCACTCCGGCCTCCATTGGCTGACGTGCGCGAGAGCGTC
AACACCGACGCGTCTGACCAATGAGCGCTCTGGAGGGCGTGGCCGTGGGAAAGGAGGCGC
GGAAAGCCGACGCGCTCCATTGGTGGCTGGACGAGGGGAGGAGCCGCTGGCTCCCAGC
CCCGCCGCGATGAGCCTCGGCCGCTTTGCCGCTACTGAAGCCGGCGCTGCTCTGTGGG
>EP74199 (+) Hs WBSR20A; range -499 to 100.

GCAAACTAGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCCAGGTGTGGTGGCG
TGGGCCTGTAGTCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATTGCTTGAACCCGGGAG
GCGGAGGTTGCAGTGTGCCGCGATTGCGACACTGCGCGACAGAGTGAGACTCTGTGTCAA
AAAAAAATTATATATATATATATATATAATGACTAATACACATGTGAAGATATTTAAC
CTCAGTAACCTTCACTTAACAGCAGTAAAAATCCCATTTTGGCCATCAGATTGGCAAAA
ACTTAAGAACCAGAGAAGAAGTGGCGAAACGGGCTGCAGCGTCGCACTCCCTACCCCGGC
AGGTGCGCGATCACACACACGCTTGCAGGGCGACTTCGACCGGCACTTCCGGTCCCGGA
AGGTCTGTCTTTTGAACCCGGAAGTCCGGGCGGGCGCCGAGCCGGGTGCGTTTTGCCAC
AGAGCCGTAAGGCGCGCGGGAACATGGGGCTGTATGCTGCAGTGCAGGCGTGTGGCC
GGCGTGGAGAGCCGACAGGGCTCTATCAAGGGGTTGGTGTACTCCAGCAACTCCAGGTA
>EP74200 (+) Hs IGFBP6; range -499 to 100.

CTCCCATCAGCAGTAGAATTTCCCAAGACCCCGTTATCCACCCTCTCCATCTTTTCTCTG
TCCCTCCACATTTGCCCACTCCTCTGTGATCCACACACACCATCTCTCTCAGTTCCTT
TTCAGCCCCGCTTCTCACTCCCCACCGGTCCTGCATGCCCCCTGCTGCTCTACACA
TACACACTAAGTGGATTGCACTCCCGTCTCCCTTCTTCCGCTCTCCCCACCCTCCAG
TCCCTCCAGCCAGCTGTACAGCTCCCAAATTCGGGCGGAGATTCCCGGGAACAAAGCAA
GAAAAATCAGAGCAATTTGGGAAGTAAACAGAACTGGAAAGGGAGAGGGAAAGAAGAGT
GGGAGGAGCCAGGTTGGGGGGGCCCTCTCCAGTCCCACCCAGTTTAGGGAATGCCCTG
CCCTCTCCCCACCCCCCTTACCTGGCTCTTAAAGGGCCCGGCCCTGGCCGGCGGCTA
CTTAAGACAGAGGGGCGGGCGGGCAGCAGCTGCGCTGCGACTGCTCTGGAAGGAGAGG
ACGGGGCACAAACCCTGACCATGACCCCCACAGGCTGCTGCCACCGTGCTGCTGTGC
>EP74201 (+) Hs PLAT; range -499 to 100.

GAGTCCCGCCACCACACAAAGTGTTCCAATCCTTGTGCATCCTCCAGTCCTTTAACCT
CTCATGTCTGAGAGGCCAGAGCTACAGCCACAGATTCCAGAAGACACCCCACTCCAGC
CCCAACCTTGCTCTTAGAATTATAAACACTTCTTGTATCAGAGGGTCTGAAAGTCC
CTTTAAGCCTGGGACACTAGGACTTAAAGGAAGATGATTCTTAAGGTCCCATCCCACT
TCCAAATTCCTGCGATTCAATGACATCACGGCTGTGAATAATCAGCCTGGCCCAAGCCA
GGATGGGCTGTGCTGCTTCCACCGTGAACCTTCTCCCCCTGCTTTATAAAAAACAGGCCTG
CCTCAGTCCCTCATGGCCCTGTCCACTGAGCATCTCCCGCCACACAGAAACCCGCCCA
GCCGGGGCCACCGACCCCAACCCCTGCCTGGAACTTAAAGGAGGCCGAGCTGTGGGGA
GCTCAGAGCTGAGATCCTACAGGAGTCCAGGGCTGGAGAGAAAACCTCTGCGAGGAAAGG
GAAGGAGCAAGCCGTGGTAGGTGCGGTTTCTGTACCTTGGGGTCTGTCTCCTCTTCTTC
>EP74202 (+) Hs SCAND1; range -499 to 100.

GTGCGAGTAAGGCCGGTGCTATCGCCCTCCTAGTTTGACCAAGCGAGAGGACTTTCTCCA
GATGGGCCCCCTCCCGAGAGAATGGTTCGCCGTCCCGCTCTCTGTTCCGGTCAACACCGC
CGGGCGCCACTCGAACGAGCCCCGGCCAGCCGTACCCCTAATCATTCCCGAAGGAGGGGC
CATCAGAGCTACAGCTCATCAGGGTCAATCAGAAGGGGCGCCCGCACGCAAGGTACCTT
GCAAAACGAAGCGGCGCACGGATAAGGTCCGGGACTTGAAGTCTATCTCAAACATTCAG
GTCCTCTCTCCGACTCCTCTCGAATGGCGCTCAGAGGCGCCACCATTGGAAGGAGCC
CAGGCCACGCGCAGCTCGCCCTCCCGCACCGGAGGGCAGCAGCCGCTCATGCGACTCG
AGAACCTAGAGGGCGCCGCTTCCGGAGCCCGCAAGCGGCTTCCGGGTGCTCGCGCGCC
GACCTGGACGACAGAGAAGCCAGAGACTTTCGCTTCCGGTGCAGGAGCGCTTCGCTGGT
GCAGGTAAGCTCCGACACTCTCGGCCGTCGAGTCCGACTCCCTCAAGGGTGACGCG
>EP74203 (+) Hs MRPS18B; range -499 to 100.

GGTCAACCCAAATGACAACTCGCAACTGATTGGCTACTCTCACTTACCTTTGCTCCGC
CCCTTTCCCTGGCACTCTCTCCGCTCCTTCTGCTCCCTGTGCGGTGCGCGTGACCA
GGAGCCTAGCACCTCCCTTCTCTGCTTCCGCCACTTCCGCCCTGGAGAACATTTCTCA
CCCAGGATTGGTAGAAACCTAAGAGCGCATGCGCACTGAGAGGATACCGCTAAAAATCGC
CTTCAAAATTGCTTAAAGGCAAACTTTAAACATGCGATCTAAGAGTCGTAGTACTGGC
CAAAAAAACCCCAATTTTGGGGTCTAATTCGATTGTGACGCAATTGAAATTAGCTTCTC
CCCCATGCCTTCCCTTTCACGCTTCCGTCTGACGCAACCGTGGGGCCGCTTCCGCACT
GCGGGCTTGTCTTGGCCCTGCCCTACTCAGTTTCTGAAGCATGCGCAGTTGCCTTTCC
GTCAATTCCTGTCTGGGCGTACGTCAAGATGGCGGCGTCTGTATTAACACCGTGCTGA
GGCGGCTTCTATGCTATCTCTTCCGAGGTTCTCACAGAGTTCAGGTAACCTTTCGAA
>EP74204 (+) Hs SURF6; range -499 to 100.

GCTCCCTCACCTGACAGTCACACGCTTGCCAGGTTTATCAGTCACCTCTACGGCAGACA
CTCGCCGAGAACACATCTGTGTGTGACACACTGCTTGTGTCCCTAGGACTGAACCTA

GGGCTGCCACGTGCCAGGCGCTCAGTCTGTGTCCGCTGAGACCTGAGGCCCCCACTC
CAAAGGACGGAATGAATGTACTGCTGGTCAATTCATTTCGCCCTACTCATGAGCGC
CTGCTGTGTGCGGGTTGGGGGTGAGGGGAGCACAGGAACACGTGCGGGACCGGGTGATT
GAGGCACTGAGGCCAGGCCCCGGGGGTGCCCTGCTGCACCGACTCCGGGCGGAGATTGGC
TGTCTCGGCCCGCAATGTGTGCGCCCCGCCCGCGCGCGCTTCCGGCGGAGTCAGGC
TTGGCTAATCGAGCGCGGGCTGGCGGCTCGGCGTTCTGTTTGGCCGCGCTGCCCGTGT
GGTGGTTTCCGGCGGAGGTGGTGAGAGTCGCACGCGCAGCGGGGAAGGTGTGAGTCGTGA
ACGGCCCCGGGTCTCGCCATGGCCTCTCTACTCGCAAGGACGCTACCTGCAGAGCCTG
>EP74205 (+) Hs RPS18; range -499 to 100.

CCTCTCCATATCTGAGGTCCAGCCCCGAACACCAAGTTCCTCGGGCCGAGCCGCCATGG
TCGCAGCGGCGGCCATTCCCCGAGCCTCACTTCCGGCAACTGTAGTCCCGGCGAGTCC
GTTCCCCGGAGTGAGCTACAAGTCCCAAAGGGTCTTCTCAGCGCGAAATCGTTCCAG
ATATTTGAGTTAAGTTGTTTGACTCCAGCTGTCCCCTTTAGCTCTAACCCTTCACCCA
ACTGCAAATGGAATATGGAAGTCTGAAACACAACTAGCCCCGGAACCTTCGCTGTTCT
CTTACCTATGAACCTTACGAACTGTAAAGAAAGGCGCACCGGAAGTTGTGGTACCCAAGC
CATACTCTCATAAATCCAGCCAGGTGCGCTGAAACAGTTTCCGGAAGCACTTCTCCTAG
ATCGCACCGCCTTCTCTCGAAGCTATATAATGATATCGCGTCACTTCCGCTCTCTC
TTCCACAGGAGGCTTACACGCGCGCTTGTGCTGCAGCATGGTAAGACTGGAATCCGT
GCCGTGATCCAGCGCATCGAGCTCGGGCAAGGAAAGCCGGCTGTACAGGGTTCTGGAAA
>EP74206 (+) Hs EEF1B2 P1; range -499 to 100.

GGACCCCCTGATCCTCATCTTCTTTCTGCTTCATCAGACCAGAGACCGTGGCTAAAAGC
CCCCATCTGCCGGCTCTCAGGGGCTTCCGAGGCGGCGGGGCGGAGGCGGCGCCAGTC
AAGGACAACAGAAGACTACGTGCGTGGGCCAAAGGAAACAGTCCCGTCAATAAATAAGC
CTCTGGCCGACGCACCTCACCTTCCCATCCATAACAAGACCTCACCTTCTCCCCGAGCC
GCGGAGGCTGTTCTGCTAACTGTCTGGACCACGACGACCCCTAGGAGGCCGGGTGCT
TATTCAATATGCGGCCTCGGCTAACTCTGTGAGCCGGGCTGGAGAACGGAAGCCCGG
AGGGACTAGAATCCTTGCAATTCGACAAGTTTGTGCGCAATTTCCGTACGCCGACCAGAGG
GCGGAGCTGAGGTGCGCCAGCCCGAGGCGGGAAGGACAACCTTGACCCGCAAGTTCGCG
CGGAAGTGGCCCCAGCCTCGAGGCGGGGCTTTCGGTCATCTCCGGCGCTTCTAGGGCT
GGTTCCCGTCATCTTCCGGAGCCGTGGAGGTACGAACTTAAGACATGCCTATTTTATTAA
>EP74207 (+) Hs EEF1B2 P2+; range -499 to 100.

CCCTAGGAGGCCGGGTGCTTATTCAATATGGCGGCTCGGCTAACTGTGACCCGGGC
CTGGAGAACGGAAAGCCCGGAGGACTAGAATCCTTGCAATTCGACAAGTTTGTGCGCAAT
TTCGCTCAGCCGACAGAGGCGGAGCTGAGGTGCGCCAGCCCGGAGGCGGGAAGGACA
ACTTGACCCGCAAGTTCGCCGGAAGTGGCCCCAGCCTCGAGGCGGGGCTTCTCGGTCA
TCTCCGGCGCTTCTAGGGCTGGTTCCCGTCATCTTCCGGAGCCGTGGAGGTACGAACTTA
AGACATGCCTATTTTATTAATTTACTTCCAAACGCAACGAAAGGTCCATGGACAATTTGT
GGGCCATTTAATTACGGGCCCCCAATTCGTACGTGGAGAAGTGGGAATGCAAAAGTACTT
TGACCTTTAACCTTCGGTCCGGCGCGGTGGAGGGAACGCCTCCGTCTCTATATAAGGAA
TTTTCCGGTCTCTTCCGGTCTTTTTCTCTCTTTCAGCGTGGGGCGCCACAATTTGCGC
GCTCTCTTTCTGCTGCTCCCCAGCTCTCGGATACAGCCGACACCATGGGTTTCGGAGACC
>EP74208 (+) Hs NFKBIL1; range -499 to 100.

TTCCCGCCTCCCGTCTCCGAGCTTCTTAAACACAGGCCTTGGGCCTACGGCTCTGGGGGT
ACTTGGGGGGGCGGGGCGAGGTCTGATGAGTAACCCCTCCCCCAGGTTCCAGAGGAAGA
AGCCTCCACATCTGTCTGCCGGGTACATGATTTCAATTTCTAGATCATTATTGGAGATT
ATCTGTGACTTTTTAAACTCAGATTTCTGCTGATAAAAATTTCCCCATCCGGCCCTGT
TGGGTTTTTTTTAAAGTTCTTTGTTAAAAATTTAAATTTACCTGGGCTCCTGAGCCTAA
ACCAATTATTTACCCTTTTCTCGAATTTTACATTAATAAATAAATTAACCTCTGATCCTATC
ACCCCCCTCAAAAAAATTTTTCTCAAATCTATCATCTGATAAAGGATCAGGGTTAGGT
TAGGCCCTCATCTCTTGTGAAGATTAATAAAGACGGAACCAAGGGAGAAACAACAG
GGGATGTGAGAGATGGAGGGAGAAGGACCAGCCAAGGCTGAAGTCTGACTGCTGCCTTT
TTTCTTCCCCAGCCCAAGAGTTCCATGGCCTCCACTTCCCGCCGCAACGCCGAGAACG
>EP74209 (+) Hs KRT17 P1; range -499 to 100.

ATAGATGTTATAATCATGGTAAGAACAGAGATGTCACTAGCCTCTGTTTTCTAAATAACA
CATTTTTTTCTGGTGGGATAAAATATCTGTTTCTGTAATTAGCAGTCTTTATACCCCTC
CATGGTAATTGAGACCCTACTGTACCTCACAGAACTCTATCATAATCTTACTTAACCTTA
TAAAAAATTTGATAATACCTGGCGCCAGATAATGACAGTATATGCCTAGGGTCTAGATGA
AAGGAAAGGATTACTCACTCAAAATTAGAAGTTAAATTAATAAACTTAATATAGAACAAA
CCCTATTATATTTAAGATAAGAAATAGCCCAAAGCAACACCGAGGGATGTTAGACATTAA
TTATTTTTTAAATCACCCAATTATACATAATTTTATGCTAATCTAAGTGATGCCATTTTG
CTTTTGGCATGTATAACTCAAATAGGAACGCCCAATAATGATATATAAAACCCAAAGA
AATTATCAGTGCATGATATTCTGTTCTCTTGGGACATTACAGTTTTGTCATAGACAAGGTG
AACATTTCTCAAAACACCATGTCTCTCAAATTTTCTAATGGATCCAGGCATGTTTGCTTA
>EP74210 (+) Hs KRT17 P2+; range -499 to 100.

AAGATAAGAAATAGCCCAAAGCAACACCGAGGGATGTTAGACATTAATTATTTTTAAAAAT

CACCCAATTATACATAATTTTATGCTAATCTAAGTGATGCCATTTTGCTTTTGCCATGTA
TAACTCAAATAGGAACGCCCAATAATGATATATAAAAAACCAAAGAAATTATCAGTGCA
TGATATTCTGTTCTCTTGGGACATTACAGTTTTGCATAGACAAGGTGAACATTTCTCAAA
ACACCATGTCTCTCAATTTTCTAATGGATCCAGGCATGTTTGCTTAAGGTCTGGAGCTG
GATCTGTGACACCCCTCAATGGAGGTGCAGGCTTGCAGGCAGCAGTGCATGTGGTGGCT
CTGTTGCTGGAAGTGAATTTTCTGTGCCTTGGGAGGGGGCTTGGGCAGTGTTCCTGGTG
GGAGCCATGCTGGTGGTGCCTTGGAAATGCTGCTTGTATTGGCTTTGCTGGAAGCGAAG
GGGGACTCCTCTCTGGAATGAGAAGGTGACCATGCAAAATCTTAATGACCGCTTGGCAT
CCTACCTGGATAATGTGCGAGCTCTGGAGGAGGCAAATGCTGAATTAGAGAGAAAAATCA
>EP74211 (+) Hs HFL1; range -499 to 100.

CAGCCTCCCAAGTAGCTGGGACTACAGGCACCTACCACCACGCCAGCTAATTTTTGTAT
TTTCAGTAGAGATGGGGTTTACCATGTTAGCCAGGATGGTCTGAAGTTACCTCATTCTT
AATACCAGTTTTAAGTGGAATTTATAACTAGAACAGTGATGCTGTTATGTTAAGATGAGG
ACTGATCACCTTCACTTGCTTGCTACTGATGTAGCTGAACTCTTGGCTAGAAAAAGAA
GGGGCTTCTCTTCTCTTCAATGGCCCATTTCTGAATATTCCAACTCAGAGACTCAG
GGACCACAACAAGGAAATTGAACAGCTTTTATTTTGTCTCAAGTTAATATTACATGATAAA
CTCAGAGTATTATTGTGAAACACTGATTAGACACTATTTGCTTATTTTGCACAACCCCTC
CATGAACCTTTGATGTTTACCACAAGGACTTTACTAACTAGCTTCCAGTTAGTACACTG
AAATTCAAAGTCATGCTCATAACTGTTAATGAAAGCAGATTCAAAGCAACACCACCACCA
CTGAAGTATTTTATGTTATATAAGATTGGAACACCAAGCATGTGGCTCCTGGTCAGTGT
>EP74212 (+) Hs SNX17; range -499 to 100.

GCTCGAGACTGTGTAGACCGGAGCCAGCGTGGCGCTGGAACGGAGCGGCGGGGCCAAA
GGCGCTCAAGGCCCGGCACTAGCTGTCCGAGCTCGTCGGCTCCGCTACCAAGTAGGCAG
GCCCGGCTCTTCACTCACCTCGCGAACAGCCACGGCCACAGCAGCCATCGCCCTCAGTC
CTAGGCTCCGCCCGCGTGGTCACGGAGCCGCCCGCTGCCTCGCTCCGCGGCTGCAGGG
TCCACAGCGCCACCTGGGCTGGAGGCTGAGCCGAGAAGCGAAGCGCGCAGCCCCAATCG
GACTACAATTTCCGACGGGCCCGAGGCCCGCCCGCACTACGGGTTGCAATGAGGGCC
AACTCCACTTTGGGCTCCCTATCCGGACAGGTGGCTCTTGCCCTTTAGACTACAGTTCCC
AGCATGCCAGGCGATTGCGTCCCGAACGACGTCCACCCGCTTCCACATCGGATCG
CAGGGCTCCCAAAATGGCGAGTGAGGCTGCGGGGACTCGCTGAGCAGCGGAGGGGGAGCG
TGCAGAGCGCTGCGGCCCTCACAGTCCGGAGCCCGCGCTGCCGTGCCGTAGGGAACAT
>EP74213 (+) Hs APLP2; range -499 to 100.

ACCGTCCCGGACTCCTAATTCATCTGTTTTTAATAAAACCATTTCCAGAATCAAAAAGA
GGCGGTACCCAAAGGAGTCTGAAGAATGCCAGCAGGGGCAGGGGAGCGGGGCGTGCCC
GTATCGGGAGGCTGAAGGCTGACGGACCAGCGCAGCAGGGACAGATAACCGCGCCGGGGG
GCGGAGGCCAGAGCCAGCCCCGCGCCACAGGGTTGCGGCCAGACCCGCGCGGCAC
GCCCCGCGCTTGCGGCCACAGGTTCCGGAGCGGGGCGGGGCCATCCGCGCCGGGGG
CGGGGCGGGGCGGGGGCGCGGTTGGACCGGGCGGGAGGAGCAGGCTTTCCATCTCC
TGATTGGGTCTGGACCGCAAGGGGCGGGGTCTTGAGGGGTCTGCGGGCCGGCATTGGG
AGCCGAGAAGGAGGGCGTGGTAATATGAAGTCAGTTCCGGTTGGTGTAAACCCCCGGG
GCGGCGGCGAACTGGCTTTAGATGCTTCTGGGTGCGGTTGTCTAAGCGAGGAGTCCGAG
TGTGTGAGCTTGAGAGCCGCGCTAGAGCGACCCGCGCAGGGATGGCGCCACCGGGAC
>EP74214 (+) Hs PSMD13; range -499 to 100.

CCATCCCCGCGGTGCTGACATCCCGTTGTTCTTGTGCGCGGGGTCTTCTGCTGTCA
TGAAGGACGTACCGGGCTTCTACAGCAGAGCCAGAATCCGGGCCGGGCAGCCCGCTG
TGTGGCACCGTCTGGAGGAGCTCTACACGAAGAAGTGAGCGCCGAGCAGACGGGCCCTGG
GCCCCGGCGATAGAGGGAGACGGAGGGGGCAGGCGGGCGGAGGAGCGGACCTTGATGGG
CTGAGGGCGCCAGACCAAGTTGGGGGGAAACGGGGACGTGTAGCGACCGGCTGTGCCG
GCAAGGTTTGTGAGGAACCTTGAGTGGCAGGGTCGAGGAATAAGAGGGATGACAGACCA
CGAGGGCCAAGAGCTGTAGCCAGGATGTTTCGGTCTGAGATTCACTGCTTCTTAACGGG
GGACTGAGACTGAGGCTTCTGAACTCCTACCTCGGGTCTTACTAAAACGGTTCAGGAGTA
GCCTTTGATTTTAGCTCTTGATTCCATCTAACAAGCAAACACACTTTAGGGCCACCACC
CACTTTGGGAAACATGTTGGTGATTCGTGCTTAGCCTTGTATAGTGTAACTGTATCTAC
>EP74215 (+) Hs SEPX1; range -499 to 100.

TCACTGTTTCAGTCATCATTTTGCAAAGGCGGTTTACCTGGGCGCGGAAAGGCTGCATG
ACCTCCGGCAGCTCCGGGCTTAGTACCAGGACTGGACTGGGGGGACACGACCTACGGA
TTCGCGCGCTGCCCCACCTGGCCAGGCCCATGTGCGCCCTAGCCACCAGGGCGCGAGG
GGCGGCAGGGGCGGGGCCCTTGGGGAAGCGGCTAGGGGTGGTCCCTGGGAGTTTCCATGG
GCGGGGCTGCTGGGGAGATGCGATTGGACTGGCACCGGGGGCGGGGCCCTTGGGGAAGT
GGCCCAGGAGTGGTCCAAGGAGTCAACGTGGGCGGGGCCAGCTGGGAAGATCGTATTGG
ACCAGCCCTGAGGAGGGGCGGGGCTCCCGGAGGCGGAAGCCGGGATTGCGCCCTCCGGGG
AGCGATTGGTCTCGGGAGGGGCGGGGAGGTGGACGCGGGTACCGCGGTCGTGGGTCTG
GCAGCCTTTGGTCAGTTGGCAGCGGCAAGCGCGCTGCGGTTCCGGTGGCGCCATGTCGTT
CTGCAGCTTCTCGGGGCGAGGTTTTCCAGAATCACTTTGAACCTGGTTGGTCTGCGG
>EP74216 (+) Hs MRPL4 P1; range -499 to 100.

GACCATCCTGGCTAACGCGGTGATACCCGTCTCTACTAAAAATACAAAAAATTAGCCAGG
CGTGGTGGCGGGCGCCTGCAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTG
AACCCAGGAGGCGGAGCTTGAGTGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCA
ACAGAGCAAGACTCCGTCTCAAAAAAACAACAAAAACAAAAACAAAAACAAAAA
CAAATAAAAAACAAACCACATAACTGGATAAAGAAAAAACATCTCCGACAGCCTTGG
AGGCGGGATGAAGGCGTGGCCGGTGGGCGTGACCAACAGCAAAAGTTTAAGCGTTATTG
GCTGTATTCTTAGTTGCTCACTCCAGAACTGCCCACTTATGGGCGGGGGTCACTCCTTC
AGGCTTAACAGTCATTGGCTGAATTGGGCCAGAGAGGTCTCATTGGCTGAATTCCTGCAC
CGGCTCGTCGGAGGCGGGACCCAAAGTAGGCTAGGCCTACGGAAGCTGGGTCTTCTTGCT
GTGAGGTGCGGTTCCTCAGTGTACGGAGGGTCTTGAGGCAGGAGTGAATTTGGGTCT
>EP74217 (+) Hs MRPL4 P2+; range -499 to 100.

CATCTCCGACAGCCTTGAGGCGGGATGAAGGCGTGGCCGGTGGGCGTGACCAACAGCA
AAAGTTTAAGCGTTATTGGCTGTATTCTTAGTTGCTCACTCCAGAACTGCCCACTTATG
GGCGGGGGTCACTCCTCAGGCTTAACAGTCATTGGCTGAATTGGGCCAGAGAGGTCTCA
TTGGCTGAATTCCTGCACCGGCTCGTCGGAGGCGGGACCCAAAGTAGGCTAGGCCTACGG
AAGCTGGGTCTTCTTGTGCTGAGGTGCGGTTCCTCAGTGTACGGAGGGTCTTGAGGCA
GGAGTGAAAATTGGGCTGGGGTGTAGTCTGGGGTGGAGGTCTGGGCACGCCGGGTGCG
ACCCCTCCATCTTCGTTTTGTCACACCCCGCTTTCAGCGCGGAGTCGCGGCGGGTAGG
GCGGCGTGCCTGCGTGACGTATCCAGCGGCGCTCGCGAGGCTCCAGTGCCCTTGACC
TCCCGCGGCGTGGGAGGCTGCGCGGCGATGCTGCAGTTCGTCCGGGCGGGGCGCGGGCC
TGGCTTCGGCTACCGGCAGCCAGGTGAGGCCAGGGGCTGGAGGCGTGGTGAAGGATGA
>EP74218 (+) Hs HNRPH3; range -499 to 100.

TATTTTTACCGCACAAATGCAACATGGTGGACAGAAAATCCGCCCCGCTTTGCCGGT
CGAACCACGTGGGGCCCTTTCGCGCCGTCGATGCCTAGCCAGGGCGGGGCCCTCACAGA
ATTTGTTACGGTGGGGGAGATCACCGGAGAACTTCTCCAGAGCGCTACGGCACGGTTC
CTTCTACACACTGGCAGAACTGCCATTGCCATCGCCCCAGGCGGCAGAAATGGTACGCTC
TGAAAACCTGGATGGTTCTAACGTAAGCAAGAAAAACGGTGCGCGCTGCAGCTCTTAACT
GGAACAGCCTCTGCTCGGTCTACCTCGCCCCAACAGCTGCGCAACCCACCACCGCGCAG
GCGCGCTGCGTGCCGCCAGCGCCATGCGAAACCGACTTTCCTGCTCGCGAGAGTGGGGC
CGGCCGCTTCGCACTTCGCTCCGCCCCCACTTCTTGTCTGTTCCCTCCATCCCCC
CAAGCCAGTAGCTGTGCTGCGCAGCTCCCTAAGCGGTTGTCACCGCTGGAGACGGTTGGG
AGAACCCTTGTGGCGAGCGCTACACGAGGCAACGACTTCTCCCTTCTTGAAGTGGACC
>EP74219 (+) Hs PREB; range -499 to 100.

AATGGCAATGGCGGATCTCGGCTCACTGCAACCTCTACTTCCAGGTTCAAGTGATTCT
CCTGCCTCAGGCTCCGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCACGCCACCACGCCCTTTGTATT
TTTGGTAGAGACGGGGTTTCTCCATGTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGATCCGCCC
GCCTAGGACTCACAAAGTGTGGGATTACAGGCGGAGTCGGATTTCTTTATTAAGGTT
GACCTTCATCAACCTCCATTGGCTCCACCTCCTCGCCCCGCGCCCCGCGCCCCGACAAA
AATGGCGAAGTCGGTGCTGGGCGACTCTGCCTCCGCGCCAGGGGTGGAGAACCAGAGCCC
CGCCCCGGGAAACGCGGCCCGCGGCCGGTGTAGTGTGACGCGTGTGCGCGCTCCTGCGC
CTGCGCGGAGGGAGCCGCGAGACAGGTGCGCATGCGCAGTGCAGCTGCGGAGACCGACT
TGACGAGGAGCCGAGCTGAGGCTCGGCTTCTGCTGATGGTCAGGGTTTTGGCAACTCCCC
GGTGTGAGAGGGGTAGGGAGTGCTCCCGGCGGCGACGGGGCCGAGTTACACAGCCGCGG
>EP74220 (+) Hs BCCIP; range -499 to 100.

ACCCGGCCTGGCACACAGCGGGCACCCGGTGGGGGGCGGTGTGCGCAGTCCCAGCGAA
AAGGCTGCAGGAGCAATGACAACAGGGGCGGAAGCCCCCTCCACGACGCCGAGGGGC
CGCGGCGGCCACCCGCGCGGGGCCCCAGGACCCCGCACCTCAGACTGGGGTTCGCTGGGT
GGCTGCGCGCAGTAGGCGCTCGGCATGCGCACCGCCATCCAGGCCACGGAATGAGGCC
AGAGGTTAGATGGGTTGAACCACTACGGGAAGGGGAGGGGAAGCTTTGGGAGGAGTGATG
GAGGGTGGAAAGCGGAAGAAAAAAGCAAGATGGGACCGCAAGCTGGACGTGACTGTAAGG
GGTCATGGCTGCGGAATCCAGCAGGGGCATTGGGGTTGACGTGCACTCAGCGCCGAGCTT
CTTCGTAGTTCTCACCCTTTGGCTACTATGGGCTGGTCCGGAAGGTCAGGCAAGGGGA
AGCTGCGCAGGCGCAGTGTGAGCGGCAACATGGCGTCCAGGTCTAAGCGGCGTGCCGTGG
AAAGTGGGGTTCCGAGCCGCGGATCCCCAGTCCAGCGGACGAGGAAGAGGAAAAAG
>EP74221 (+) Hs MRPL28 P1; range -499 to 100.

GGCTTCCCTTCTGGGTCTTGTCCGGGATATGGCCTTCTGAAGGTCTTACCTCCCCAGC
CGCCCTGCATTGACCACCAAGCAATCTCTAAGCTTATAAAGGAGAAACATATATATAT
GGGGTTTTTTGGAGTAAAGGAAAAATTCTAAGATATTAAGACATATTTTTATGTAGATCTG
ATCTATCTGTGTTTGGTGAATTAATATTCTACATTGATTTTTCAAACATAACGAGTTTT
TACATTTTTTCTGTGCTCCTTCCCGGTAGGGTAAGTGGGGCCCGGAGAACAGCACCG
CCCCGCCCCTGCGGCCCTTCGCGAAACGCCGGGGCCGACGTAGCTAACGGTGCCTTGA
GCTGCTGCTGTATGTGGGGTGTTTTTACGGTCCCTAAAGACGGAAGCGGGGCGGGGA
CGAGGGGGTAGACGGATGGCTTTACAGCCAGTCAGCGGTGGGAGGAGGGCCAGGCGCGG
CAGATCGGCTTCCGTTCCGGTGGGCTCTGAACCTGAAAGGTGGGCGGGCAGGTGGG
GTGTGGGGGGGCGCCGGGGCAGAAGGGGAGGGGCAGGTGGGTGCGGGACAGGGGCCGGAG

>EP74222 (+) Hs MRPL28 P2+; range -499 to 100.

AAGCACCGCCCCGCGCGTTCGCCCTTCGCGGAAACGCCGGGCGCACGTAGCTAACGG
TGCCTTGAGCTGCTGCTGTATGTGGGGTGTTCCTTACGGTCCCTAAAGACGGAAGCG
GGGCGGACGAGGGGGTAGACGGATGGCTTTACAGCCAGTCAGCGGTGGGAGGAGGGCC
AGGCGCGGCAGATCGGCTTCCGGTTCGGTGGGCTCTGAACCTGAAAGGTGGGCGCGGG
CAGGTGGGGTGTGGGGGGCGCGGGGAGAGGGGAGGGGAGGTGGGTGCGGGACAGG
GGCCGGAGTGAGAACCAGGGGGCGGGGTAGGGGTAGCGGGTGAGAGCCGGGGGCCGGGG
TAGCGGGTGAGAGCCGGGGCGGGGTAGCGGGTGAGAGCCGGGGGCCGGGTAGCGGGT
GAGAGTCGGGGGCCGGGTAGGGGTGAGTGCCGGGGGCTGGCCAGGCTGCGACTGACT
GCGAGCCCCACCTCCCGCCAGGCTCGCGATGCCTCTACACAAGTATCCCGTGTGGCTCT
GGAAGCGGCTGCAGCTGCGGGAGGGCATCTGTTCCCGCTGCCCGGCCACTACCTGCGCT

>EP74223 (+) Hs CRSP9; range -499 to 100.

GTATGTAAGACGTCTTAATTGTATGCGTTAAATTAAGGACAAAAGGAATGGAACCTA
CCAGCAGCGACTAAGTCAGTAAAAGAGTGGTAATGGGGAAGGGGTGGAATATACGCAGG
CGCAATAGCAAGCGTTTCTTTGGAGGTTATTTTCGTGTCATAAATTTCTAAATTCACGT
TAAGTCTTACAAGAGCATGTTAAACATTAACATAAGATTGTTTCTGGTCAATAAGGGG
TCTATAAAAAATAAGGATTAAGGTGCTTGTTCATTTTATGCCTTAATTCAAAAAGAA
ACGAAGAAACGGAACCTCAGCTACGACTTTTAAAGTCAGTAACGGGTGGATGGGAGGA
GTCAAACATACGTAGGCGCAACAGCGAGGGATCGGTCTGAGGCGGAGCTAGAATTTCTGT
AAAGGACAGCTCTTACAGCCAATCAAGGACAGAGTCGGTGGCTTCTCCCGGAGGAGACC
GGAAGTTGGTTTCGGCTGCAGAGGGGAAGGCGGCTACCAGTGTAAGCCAGAGCTGAGGT
AAGTGGGCGGCAACGTTTGGGGCGCGCCTGTGTGCGTTTTTTCTCCGGACCCCCG

>EP74224 (+) Hs RBX1; range -499 to 100.

CCTGGCTCGGAAGCGGGTCAGAGTCTGCGAAAGACCAGCGAGGACTCTTGGGTTTCGGGG
CAGGCCGCGGGCGCCACCCACGCCAGCACGGGAGCCGCGCGGCGACTCGGCGAGCCCCG
GCAGGCAGGACAGGACTGCGGCGCAGGTCTGGCTCAGGCGGAGGAAGCAGCCGCCGCCCC
AGCTGACGGAGTGCGGCCGGGGCTTCCCAGAGGAGGCGGCGACGTCGAGCCCTTCGAA
CGTTTCCACCCGGCTAGCTCACGTAGCCTCGGCCCGCCCGGCCCGCCCGGCCCGGCC
CACCCACTCCGGCCACCGCCCCCTCCCGGCTACAGTTCGCGGGTGGGGCGACCTGCGA
CAGCCCCTTTAAAGAGGCGTGGTCACGTGCTCCGCCCCACCTCCGCTCGCGCGCCAGTA
AGGGGTGGGGTGCAGGAGGAGGTGCCGGGAGGTGGGGGAGCGAAGTGTGCGCTGCTGC
GCAGGCGCGGTGGTCGACGACAGACCGTGTGTTCCAAATGGCGGCAGCGATGGATGT
GGATACCCCGAGCGGCACCAACAGCGGCGCGGCAAGAAGCGCTTTGAAGTGAAGAAAGGT

>EP74225 (+) Hs EIF3S4; range -499 to 100.

CTCGCTCTGTGCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCGCC
TCCCGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGAAGTGCAGGCACGC
ACTACCACGCCAGTTAATTTTGTGTTTTTAGTAGTGACGGGGTTTCGCCACGTTGGCC
AAGCTGGTCTCGAACTCCTTACCTCAGGTGATCCGCCCGCTCGACCTCCCAAAGTGCGA
GGATTACAGGCTTGAGCCACCTCGCCTGGCCTATTTTAAATTTAAAGTTAATAGGACCA
GCCCTGAAATCAGCCTCTGCCCGGCTGGCCCTACTCTGGTACCAGCAGCGCCAGTAGC
ATACACAGCCGCTGCGCCTCCACCTCCGTCCGCAGGTGTGCTGTGGGTGCCGCGGCTG
GGCCCCCTTAGGCGGCGACGCGGCAACCGAAGTCTCGTTTTCGCCCGCTTCCGCTCTCT
GGCCGGGCTTGGGCTGCGTGGAGAATACTTTTTCGATGCGCTACTGGAGACTTTGAGTGA
GTGCGGCGATCGCGAAAGGGGCACGGGAAGCGGTTGGGGTGCTCTGGGAAGTATTATGGG

>EP74226 (+) Hs PLTP; range -499 to 100.

GGGGGGCCCATAGCAAAGCCAGGCAAGGAGGTCCCGAGATGATTGTGGGTGGCAGGGAAA
GAAAAAATATTCCTTGACTTTGTGCTGGACCTGGTTGTAATAAAGGCCCAAGAGGTAGT
TCCTATCATCGTGACATTTTCGCTGAAGGAAGAACTGAGGGTCAGTGACCCAAGTGAAG
TGACTTGCCCAAGATCATCGAGGAAGACATGGATAATTGTAATTTGAACCAAGGTCCAG
CAAAGTGGGATTGTTGGGGCTGAGTGGGCGGCTCCTGCATTTCTTCCCTCTCCCTGGG
CTTGGGTCTCCCACTTGTCCAGACAGCGGCGGGCTTGTACGGGGCTCTGTGCAGCCTT
TTCCACTCTCCCGGCTGCCAGCGTCCCGCCCCGCTCCCTCCAGCCCCCAAGGGAGGAGG
GGAGAGCTGCAGAGAGGAGGAGGGGTGCGGGAGGCGGCTTTATAAAGGCGGCTGGAACA
ACCCTGCCCGCCAGACCCGCTGCGCCGGATCCCTGAGCTGCGCGCCATCCACGTGACC
GCGCGCCCCCAGCTCCACCGCTGAGTGAGTTGGGGCGCGTCCCTATCCCGTTCCAGT

>EP74227 (+) Hs LYPLA2; range -499 to 100.

CCTTGAGCCTCAGTTTCCCCATCTTCAAGGCTGGAGAACTAGATGATCTGTAAGGTCTCT
TCGGTTCAGAGTGTGTCAATTCATTCATGATCCTGGAATAGGGCATGAAAGCCAGTGGCA
GACACCCGAGGCCTTAAGAGGTGTGTCCCATGAGGATGGGAAGGTGGTAAAGTTTATGCA
AACAAATAGTGTGAGGGATGCCTCTCCTTCCGGTGGGCCCTCCTCCAGGAGGCGCATGGGT
GGTGGTAGCAAGTGGGAGTCTTGGGTGCCCTGTCTCGAATCTACAAGGTGGGAGCGGGTG
AGAACCCAGCGACTGCGCGGTGAATGACAGGGAGTAGCCCCGCCGCTCCAACATGGCA
GCTTCTATCCAGCGAAGCCGGGTCCCGGCTTCCGGTTCCGTACTGTGCGCCAGGCTACT
TCCGGCAGCGCATGGCTGGGTTCGGGGACTCGAACGGAAGTTCCGGCGGGGGCGGCCG
AGGGGGAAGAGTGTGTCTGCGGGAGAAAGAGGAGAATCGCCCAAGCGGCTCGGAAGTCC

CAGGGAGTGGAGGTACCCAGCCGGCGGCTGCGGAGGATGGGCGTGTAGGGGGAGGTCGGC
>EP74228 (+) Hs STARD7; range -499 to 100.

CAAGGACAGAAGCAAGATGGAATTGGTTAGGTCAGATCTCTTTCACTGTCTCAGTTTTAA
TTCTGCAATGGCGGTTATCACTGGGAGCCCCAGCCCCGAGAGACATGCGGAGCCCCG
CCCCACCCTGCACTCTAATAAAGAAGGGGGCCAGCGTGCCGGCCTCTTAAACAAGTTA
ACACCTGGCAGGATTCTAACAGGAACCTGGCCAGGTTTCTCCGCGGGGCGGGGCTGGGAC
GGCCGGAAGATGGCGGCGACGGCGGAGCCGGGTCCGAGGGTCACTCTCCAATGCGCCCT
TGACGGCTCTCGCCGCGAGCCACCTACCTTGCTAGCAGGCGGCCTCCGCGCATGCATGA
AGGGGAGGAGGGGGCGGTGACGAGCACTTACGGCGCCAATGAGCACCCAGGAGCCAG
GTCGCGCCCAATCACGGCCAGGTGGCGGAGAAAAAGTAGGGTGCGCGCGCGCCGCGCT
GTGGCAGTCGCGGAAGGCGCGGGAGCTTGGTGTCTGCTGGGCTGAGCTGTCTGTCTCGT
TTCTGTCCGCGCGCCCTGCATCCCGGCCCGGGCGCCCGCTGGAGGTGCGCGAGGAGCCA
>EP74229 (+) Hs RNASE4; range -499 to 100.

ACTGTTTTTCCACCCCTTTTGTCAACTACTGAAAAAAGTCTCCGTTAAATTTGAAACA
CAAAGTGTCTCGCATGGGCTGTCTGCCAAAGAAAGCAGCAGCAATAAGTACGTGGCA
GATGGTGTCTGACACAGTGTCAAGACCAAGTTTCATGGGTCTCTGGACGCTCAGCCAGG
GGTAGTCTCTGAAGGGCCGCTGGCAATTGGGAGCAGAAGCCAGTTTCCGCCATCTGCT
CTCCGTGGAGGCAGTGCTCTCGCGGCTGCTGCCCCGTTGGGTCCAGCTGAGGAAGGAGCG
CGGATCCCAGGCTCGTTCTTTGCTGGGCTGCCCCCTGCGGCCCTGGGGCGGGTGTGCT
GCGGCGCCAGCTCCAAGGGCGGATCCAGGCGGGAGGGGCTCTCGGAGAAGCGGGGCGC
GGTCCCAACTACGAGAGGCTGGCAGCGGACCCCTCCACACCTACCACGCCCCCATCTC
CGTCCGTGTACACACTCACACAAGGACGCCAACCCACCTAGATGCAAAGCAGGATTC
AAAAGAACATCTTTGCGTTTTCTACCGGCTCCCATCATCTGTAAGGAGGAAGAAGCG
>EP74232 (+) Hs SURF4; range -499 to 100.

CTCCGGGGGACCCTGGGCTCGTCCCCCTGCGTGGGGCGCCTGCGATTGGACCCCTGGCC
CAAGCATGATCAGTAGCGACCGGTACGGGCGAGCGTCCACCCCTGGCCCCACCCCGCT
GGGTCACTGGGACCCGCGGGATCTCCCCGCCCCAACGGCGCCCTCGAGGCACTCAGGCG
TCCCTCCCGCGCGCTGGCCCCAGACCCCAAGTCCCCGCCCCCTTAAAGGGACGCGTTC
CGCCGGGCGGGAGGGACCGCAGGGCTGCGCGCGGCGGGGCGGGGCTCCAGCGTGAGAG
GCGTGGCGTCGAGCGCGGCGGGCGTGGCTTCGAGCGGATGGGTGCGGAGGCTGGGATGG
CGCGTGGCCCCCTTAAGACGCACCGGGGCGGGCCGGGCGGCGCGGCCCTTTAAGGC
TTGGCCTACGTGGCAGCCGCTGGAGCCGAGCCGACGCGGAGCGAGGCCGGCCGCCGGG
ACTTCTGTGGAGGCGCGAGCGGGTGGGGCGCCGACGGGCGAGAGCCAGCGAGCGAGCG
AGCGAGCCGAGCCGAGCCCTCCCGCTGCGCATGGGCCAGAACGACCTGATGGGCACGGC
>EP74233 (+) Hs ANP32A; range -499 to 100.

CAGCCCGCGTCCCCGACCTCAAGCCGCGCCCTCCTTCCGCAACCCCGTCGCGCCGCC
CCGCGAAGCCCTCGGCCGGGCGGGGACCCGACCCGACCCCTCCGGCCGCGCCCCCTCCCC
CTCGCAGAACGCACCTGCGGCCCCGCCCCGGCCGAACGCTGAGGCGGCGGCTGGCTGGC
AAGGCCGGGCGGCTCGGCCCTCAGGACACAGTCACTTCCCTTCCCCCGCCATTCCGCCC
ACCCCTCTACTCAGCCACAGAGCAGCCGCGGCTCCTCAGCCGCCCGAAATCTAAAG
GGGTCCGTCTCCGGCACCCTACCAATGGCCGAGCCTCCCTGGCCGGCTGCGCAGCCCG
CCATTGGTCCCTTCCCCCCCCCGCCGCCACTGCCATTGGCTGTTGCCCGGAGACCCTCG
GCGGCGATTGGCTCGGGCGCTGCGGCTCGTCCATGGGGCCGAGATCCCGCCTCCACGG
CGATCAGGTTAGTGTGCGCCGCGGTGTGGGGGCTCGAGAACCAGCGGAGCTGGTTGA
GCCTTCAAAGTCTAAACGCGCGGCGGTGGGTTCGGGGTTTATTGATTGAATTCGCCCG
>EP74234 (+) Hs RPL4; range -499 to 100.

GTGAGAGCGGTACCGGAACCGCAAACCTGAACTGCGCGCCGGACCGGCGACGTCAAGGGT
CATGGCCCCGCCCGCGGACTATTTTGACCAACCCCTACAATAAGTCTGTTTGTCCG
CAAAGTTAAACTTTTCGTTTCAAGCACCCAGAGCTATTTACTATGTCAATAGTCTTCAAC
TTCCGTCTGCAATAATTAATAAAGAGCAGTGGTTGGGGAGAAGATACCTCGACTCGCGA
GAGTTGGCCTCGCCCCCTATGGATTATTCGCAAAAAGGAGTCCCTATTTTCTAAGAATT
ATTATTACGTTTGAAGAAAATAGATACCGTAATTTCCACAAAATAAAGAAAATAACACTC
TCGTTTTTACTTTGTAGTGTGGTAGAGAGATATTTTGTATCCGTGTTGGTCTTAGG
CGGGGCAAGGTGGGGCGGTCAAGGGGAAGGTGACATATACAGCGGGAGTGGTAAGCACTT
CCTTTTCTGTGGCAGCAGCCGGGTGAGAGGAGCGTGGCTGTCTCCTCTCTCGCCATG
GTGAGTGGAAGTTCTTTGGCTGGCCTTACCCGTATCTCGGGGCCAGTAAGGAAGGATT
>EP74235 (+) Hs CD24; range -499 to 100.

CTCCCACTTATGAGTGAGAACATGAGGTGTTTGGTTTTCCGTTCTTGCCTTAGTTTTGCTG
AGAATGATGGTTCCAGTGTGCTCTATGTCCCTGCAAAGGACATGAACTCATCTTTTTT
TATGGCTGCATAGAATTCTGTGTTGCGGTGGGGGCTTCAGGGCCGCGGAGGGGGTCCCC
TTAGGGTGGGCGCTCTCTCTCGCCCGCCGAGGACGAGCGGGGGACCGAAACCGT
GTAGTTTGCAGCGTCAGGACGCGGTCCGCGCCAGCGAGCGGCTCCCCAGCTCCTGGGA
GGATGCGGACCCGGGACGCCCCCGTGAGCTCACTGCGCTGGCTGACACGAGGCGCTCAC
AGAACAAAGCAAGGGCTTCGGGGAGGGCGCGGCCGCGGGGCCGAGCGCGCAGATCGTCC
GGACCGGGACACCGCTGCGAGGAGCGCCGACCAGCCGGGAAGGGTTCGCGCTAGGCGGC

GCCCCGGTCCCGTCGGCCAGGGTCTCGCCGGCTCGCCGCGCTCCCCACCTTGCTGCGCC
CGCCCCGAGCCAGCGGTTCTCAAGCACCCAGCATCCTGCTAGACGCGCCGCGCACCGAC
>EP74236 (+) Hs SSR3; range -499 to 100.

TCAGCTGCAATGGCGGTAATGATGCGCACGTCATAAGATTCTTCAAGGTATTTAATGAAA
TAAAGGATGTGTAAAGGAGAAGGGATTTTACATGAGTTAGCTATACCTTTCTCTTTCT
TTCTTCAACGTACTCAGTCTGGGTACGCACAGAGGGCACTAATGGCGTGGGGCCAGAAG
AGCTTTTAATTTTGAATTCTGAAGAACTGAGAACTCGTGAGTCTGTCAGCAGCTCTGAA
GTGGAATATCAATAAAGTTTTGTAAATTTTTTTTAAAGCACCGACTAACTACAAATCCC
TTCTCTCTCCTCCAGGTGGGTGGGTACGTGGCTTGTACGGAATCCGGAAAGTCTGGCCCG
CTCGCCCAATACGCCCCGGAAGCCTATCTAGTGGCGCCAAGCTGGCCAATCCTGGGGACG
CTTGCTCTTCGCCAAACCGGGTCCCGCCTCCGCGCGCCGCGCTGACGGGTCTGTTAGCGGA
TACGGCGGCCGAGGGGCGGAGTCAAGGGCCTTTGCCGCTTGGCGGCCGGCTCTACGT
TCCCTGTTCTCGCTGCAGCTCCGCCATGGCTCCTAAAGGCAGCTCCAAACAGCAGTCTG
>EP74237 (+) Hs RPL35A P1; range -499 to 100.

CAGGCGCGCACCATCATGCCAGCTAATTTTTGTACTGTTAGTAGAGACGGGTTTTACC
ATGTTGGTCAGGCTGGTCTTAACCTCCTGACCTCGTGATCTGCCGCCCTGGCATCCCAA
AGTGCTGCAATTAACGGGCTGAGCCACCGCACCCGGCCACAGATTATCTTAAAGGAACA
TCTTTTATTACCTTTCAATATTAGGGCACAGGCTAAGTCTGATGTTACATAATGCAATTT
ACATCAGCTGCCATTTGTTTAAAGCTACAACCTATTTTCTCTTTTCCCTTTTTTTGAGA
TGCAGTTTCACTCTTGTGCGCAAGGCCTGAGTGCAATGGCACGTTCTCAAATCACTGTA
ACCTCTGCCTCTCGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGCCTGCAGCTGGGATTACAGGC
GCCCAACACAGGCCAGCTAATTTTTTTGTACTTTTAGTAGAGATGGAGTTTACCACAT
CGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCCTGACCTCAGGTGATCCACCCGCTTGGCTCCCAAAG
TGCTGGGATTATAGGCGTGAGTACCGCGCCAGTCCCCTACAACCTATTTTCATTATGAC
>EP74238 (+) Hs RPL35A P2+; range -499 to 100.

ACTATTTTCATTATGACATATAGACACTTATGACAACTAATACAGTCATTGCTATTCTGT
TGGTTACAGCAAAATTCACCTGGTTGTAACAAATCTAATTTGTTACCATTTTTATTAATGA
GGAATAAATAATTTTGTACTTTTTTTTTTAAAGTCAAGTAGGGGTGCCCTTCTCTAATTTG
CACAGAAGTATCATAGGGGCAAGTGAGGGGTCTGTCAAGTTTGATAACCTCCTACTGAG
GATATTGATTAATAAGATAAAGTACTATGCAGTCTGTTTTAAAAAATCACCCATATTAT
TAATAGTAACAGTAGTGATAGTAACAGCAGAAGCATAGAGAGGACTACTATACTGCTTGG
GAAGGAGCATTACGTGACATCTAAAAATCTTACAGACTCCAAAATCTATCATTCTACTA
ATTTAGTGGCCAGTCACAGTATAAAACAAAAAGCACCGAGTCATTTTCTCAACTTACTAA
GAAAAATAGCTCTTCCCATCATCTTGGATCCTATGGAGGCTGCTGGGAGCAGGACTTCT
AAAAGGAAATATGGCTGGAAGGCTGTGGTCCAAGGCCATTTTGTGCTGATGAGCAATG
>EP74239 (+) Hs CREB3; range -499 to 100.

CACTTCCGCTCTGGGAACGTCCCCACCCGCGGGCGGCCCTGGGCCGCGCTCTATGG
TCGCGGGGGGAGGCAGGAAGCTGCTCTGGCCCCGTTCTCGATGCTCGGGAGCGGCCAAA
GCCCCGCGAGCCCTCCCTGGCAGGAAGCGAGGGTGCGGCGCAATCCGGAGAGGACGCCAG
GACGACGCCCCAGTTCCCTTTCAAGCTAGAACTCTTCTTTTCTAGCTTGGGGTAGAAG
GCGGAGCCGGAGCCCCGGAACCCCCGCCCTCGGGGTGCGAGGCGGCAGAGGGCCGTCCC
CTACATTTGCATAGCCCTGGGACGTGGCGCTGCACCCAAGCCTCTTCTCAGTTGGAGGG
AACTCCAAGTCCACAGTGCCACGGGTGGGGTGCGTCACTTTGCTGCGTTGGAGGCTG
AGGAGAATTGAGCCTGGGAGGCGGGTCCGGAGAGGGCTATGGAAGCCGCCGGCGGGGAA
TCCCGGCCGTAGAGGGACAGTGGATAGGTGCCGAGGCCACAGCTGGCCTGGGGCTCGT
GTCTGGGCTTCGGACGTTGGGGCCCGTGGCCACCTTTCCGTAGTTGTCCCAATGGA
>EP74240 (+) Hs PTGES2; range -499 to 100.

TAGGAAGCGGACAATGAGGCGGGAGGGCAGAGAGAACCACAACACCTGGTGCCGGGTGCG
GTCGTTTTCCGGGGCTTTTCAAGTGCGCGGAAGTGCAGGCGCTGTACTGACTTAGGAAGGG
CTGGAGATTGTTTTGAATGGGCGCCCGTAAGAGAGGTGGGCAAGTACGTGTTACAGACGGC
CACGCCGCCCTTTAGGCGGTCAAGGTGGGGCGAGGAGACGTTTCGCCCCCTGCAGTCGGC
CGGGTCACTACCCAAGAGCCTTTGGAGGCGGAAGCATGGAACGGTCTGCAAACGTTCCCG
AGCGGGCCTCTGCGGCTCTGGCGGGCGTTTGAACCTGGGCGCCGGGCACACGCCAGTC
CCGAGAGCGCTGAGGGTTCCCTTAGCGTCGCCCTCACCCGGCCAACCCGCGGGGCGCCA
GAGTCTTGGCCCTTTAAACGCCGCGCTGCTCGGCGTCTTCTGTTTCGCGCGCCCGCCCG
CGGCGCCGGCGAGCGAACATGGACCCGGTGCAGGGGTGGTGCAGGGCGCTGTGGCCTGG
TGGGTGCGCCTTGGCCTGGAGGCTGGGAGGCCGCCCCAGCCGCTGCTACCCACGCAGAG
>EP74241 (+) Hs CTSB; range -499 to 100.

GCGAGGTGGGGACAGGCAGGGAGATGGAGGGTGCAAGGTGAAGACAGGCAGGGACATGGT
GTGAGGTGGGGACAGGAAGGGACATGAGGGGTGCGAGTTGGGGATAGGCAGGGAGATGGG
GGGGTGCGAGGTGGGGACACGCAGGGAGATGGGGACGTGGGGATGGCGACAGGCTGGGA
GAGGGAGAGGCCAGGCTGAGACCTCCCCGCGCGGTGCCAGCCAGTCCAGGCAGATCCAGG
ACTCAGCCAGGCTGATACCCAGATAAGCCCTTCTCCAGAGGAGATAAGGGAGCGACG
CGGCCGGCCGACAGGTGAACCTAGAGCTGGCGAGTTAGTCGGCGCCGCCCTTCCGCGAG
CCCGGCTCGGGGGAGTACCGCCACCCCGCCCGCGCTCGCTCCGCCCGCGCTCGCTC

CGCCCCCTTCGCGCTCCCGCCGCTCCTCCACGCTCGTGCCGCTCCCCCCCCGCGTCCCAG
TTGACGCTCTGGGCGGCCACCTCCGCGGACCCTGAGCGCAAGAGCCAAGCCGCCAGCGCT
GCGATGTGGGCCACGCTGCCGCTGCTCTGCGCCGGGGCTGGCTCCTGGGAGTCCCCGTC
>EP74242 (+) Hs MRPL50; range -499 to 100.

TCACGGAAGGAGCCTCTGGTGAGGCCTACCCGGCTGCTGGAAATTAGGCTCGACGAATA
CGAGGATCCCTGGCTGGGTCTGGCCAGTGCCTGCCTCGGCCCCAGACGGTCACGACCCC
AACAGCATATCAGACGCGATCCCTGGCTGTCCCCAACCCCGAACCCCAACCCCTACTCC
TGCCTGGTTACGACGCTTTTACGGCCTCGTAGAGCCTCCTCCCCGCTGCCAGTTCTCTCC
TCCTTGACGCCAAGTAACGCTATGACCGCCCGCCCCGGACCAGAAGGCGTCACCCAGAT
TCTTCCCGAGGCCCCCTCAACTACAACCTCCCGTCATGCTCGGAAAGAGCGCCGCGGTCCA
GACGCCGCCAGCAACAGCTACTGGACTACATTTCCAGCGTGCAAAGGGCGAGGGAGCCT
ACAGGAAAAAGAAAGCTCTTGCCACTGGGATTGTATCCGATTGGCTGGTCTGGGCGCGTC
ACTGCTGGCTGAAGGCTGCGCTCAGGCCCTGGATCTCATCGAAGATGGCGGCGCGATCT
GTGTGGGCGATTACAGAAGAGTCTTATGTGGACAGTCTCAGGGACACCATGTAGAGAA
>EP74243 (+) Hs PDCD10; range -499 to 100.

TTAGCTGCTCTCAGGGAAGCTGCCCTCTGCCAGTGCAAGTCCCCACACCAAGCCCTCC
CTTCACCTGGGCGATTTTCCCGAGGCTTCTCTCCACCCACACGGCATACTCAGCCCGAC
AGCCCCAGGATCCCCACCACAGGCCCTCACCCCCTTCTTCTCTGCTCTGTACGCCG
CCCCCTCAATGGGTGAGGCGCTGCGGGGCTACTCCGACCCTGATTGGCGCAGGTGAG
GGCTTGCCCCGCCCTTCTCTCTTTCCGTGCACCATCTCTTTCATCTCACCTCCTCCC
GCAAAGGCAGGGAATTCTCTACTATTGGCTAGAAGTGTACCAACCCATCGCCTCAGGAT
CCCCCGCATGGCCTGCCGGGAAGTGTAGTCTTCCGATTGCAGGAATTGCGGACAACGCCG
GCGAGCGGGACTACGAGTCCCCATAAGCCTCTGCACGACTCCGGCTGGGCAGGATTCCGG
ACAACGCCTGGTTCTCTTGGGTCTTCCGGCGTCGCCGGAGTGAATTGATCCGGGAGTT
GAAGAGGGCTGCAAGGTGGGAAGTGAAGTCAAGTGCCTCAGTTGCTGGTAAGGTGTAGCTG
>EP74244 (+) Hs MRPL9; range -499 to 100.

TTTTTCTACGGTTTACATAGCTTGTGATTTAGAATTCTCCTTTATTAGCTTAAATACTGC
AGTATAATGATTAAGGGTCAGGCTCCTCCTGGAGCTGGCAGAGTTTTCCAAGGGATCCCA
TCCTTTACCCTTTTAGGTAGATTTGAAGTAAGGAAAAGTGAGAGCATCATTCATTCTCC
GGTCAGTATCCAGTCATCACAGAACGTTAGAATTAAGTTAGCCCAGCAACTGGAGCTA
CAGCAAAGCCACACTTTCAAGAGGAAGAGCGTCTTTTCCGGCGTCAGTCCACCTAACAC
TCATTCCATTATCAGTCAGTAATTTAGGCGTCCGTACCTCTGCCAAAAAGCAAAAATA
GGCAAGCCCGGTGCCATCTGTTCCCGGCCCGCTCCCCATACTTTTCGCTCAGCCGTACC
GGCGCGCCGACAGGACAGCTGCGGGGGGCTTTCTGCGCCGACGCCGGGTCTCTCCCT
CAGGTCTCATTCTGTGCTGTGAACATGGCGGCGCCGTTGTACGGCCCCGGGCAGAGC
TCTGCTGCGGGCGGGCGCTGGACGGCTGCTTCGGGGAGGCGTCCAGGAGCTACTGCGGCC
>EP74245 (+) Hs BCL2L12; range -499 to 100.

TCCTTGCTCCACTTTCCCCAGAGTACACAGCCTGCCTTTCCACTCTCCGTGCAGACCCAT
CCTCTTTCCGCTCCTCGCTCTCGGACGCCACCAACGCTCTCCCGGGCTTTCCGCGTTA
CCTACGATGGAAGGTGCGGGCGTGCGGGCAGCTGGAACCCACCCCTGTCTTGAGCTCCG
GGTAGCTCTCAAACTCAGGCTGCGCACCCCTTTCCCGTCAGCTGAGCTCTAGAGCGCT
GGGGCTTTCTTTTGTATCGACTTCTTGAATAAAACCAACTTTATCATTCTTTGGGTAAAC
AGACCCAAAAGCCGATGGGACGGCCCGCTGGGCTGTTCCCGCCCCTATGCCCTTTTTTGG
GTTTCCGGCCAGAGGATGCTGGGAGCGTCACATGCAAATTGAGCGTGCAACCCAGCGTTC
CGCCCTTTCTACGCTGGGCCGGTTATCGACCCGGCCAGTGCGCAGGCGCGGGAAAGTTG
AACTAATAAAGTTTGTACGAGTTCAGTGGAGGAGACCGCAAGTTGAGTGGAGGAGGCGGC
GGTGGGGCCCCGGACAGGTACGCGGGGTGTTGACGAGGGGTGGGGTGAGGAGGGAAGAG
>EP74246 (+) Hs DDX19; range -499 to 100.

AATTCCTCCTCTTGGGGTACAAATTTATGAGTGCAGGTGCAGTTTGTACATGCCTAAC
AAGATTGCATAGTGGTCAAGTGGACTTTTAAACCAATGGGTTGTAGGGCTGATTGCCAA
CATCTGGACATTTTAAATTACCAATCTGAAAAGGGAACAGCTCTGTGCTTGTTTTGCAT
TTTGGTGACTATTGGTAATGGTTTTCTGTTTTGATATATTCAATCTGTTCAATCTGTATT
AGTGCCTACTCTGCCACTGTGTTGGGCGGGAATCTGATTTTGTCTTTGGTTGGAGATCC
AAGTTAACCAGAGCTTAGGCATTTTAAAGATAACTACCTCAGCTTGATAGGAAAGCTTGCT
CTGCCCGGGTTGAGGGGTACGGGTCTGAGGGCAACAGAATCGACAGCCTCAAGTGGGCA
AAGGGTGGCCAAACAGGAGTGGCCTCCGACGTCACTGTGGCGCGCCGCTTCCGGTCTGCA
GCCTTGATAGTGGGGCTGGAGCAGAGCCTGCCGCGAACCCCGGAGCCACGATCCCTCGT
GCCATCCCTCGAATCCACCAGCACGAGCGTCCACCCGCGCTGGGACCATGGCCACTGA
>EP74247 (+) Hs GLRX; range -499 to 100.

ACAACAACAAACACCCACCATACAGTCCAAGCAAAATGCTGTGAGAGCAACCTTCATGAG
GAGTGCAAAGTCACAGTTTCAATTTCACTTCTTAAAGAGATTTCCAAGTGTTCTGTTT
CTTAAGTGATTCTGTTTGATTTTAAATAACAACGTATCTCCTAGAGGGAAAACAAGAA
TTTGCTCTAAGAAGTCACTGCCTCCTCAGCCCCCTTTGTGAGTAAGCACTTTATGCTTCCC
CAGAGGTGACTAAACTCTGATCATTGCCAATGGGCAGGCACTCCCCAATGTCCAAGGAC
AACAAAGATACCCAGAGTGTCTTTCATAGCTACCAATGATTAATAGCAAGTATTGCATT

CCTGGGCATTGCTAACTAGTGAAGTATACCAGATGGAATGTCTTCGAAGCTGTCCCTTT
AAAACCTCGAGCAAGCTACCAGGCAAACTCCGCCTCCAGGGAGGTTCTTTATTAAATAGGA
GCCAACTGGCTGGGTGGGGCTCAATACCCCAAGCAATACCTGCAACTGAGGATTCTTCC
CGGGGAGACCGCAGCCCATCGGCATGGCTCAAGAGTTTGTGAACTGCAAAATCCAGCCTG
>EP74248 (+) Hs HPD; range -499 to 100.

AAATGAGGCTCAAAGGGATATGGTGATTTTCCCAAGTCACACTGTATGTAACAGAGCCAG
GATGCAAACCTTCTCCTGCCGTGCCTCTCAGAGCTATGGAATACAACGCTGTGACGCAAA
CAGGACTTTGGGGCCAGTCTCCTCAATGCCCCCTCAAATTTCTCTAGGCAAGAGTTCTGG
AGCCGCCACTGCACTCCAGCCGGCCTTGGCTTCTGAGCTTTGGATTCTGGGCAGTAATGG
TCACATTTCCAGCGTCTGGAAGAGCTTGCCCTTGGCTTCTGGCCCTGACTCTGCCTCCC
ACTGACTAGTGGACGTCACTGCCCTCTCTGGGCCTGGCAACACCATCCTGTTCAATGAG
GCTGCGGCTGGATCAGAGGTCCCCAGGCCTGGAACCTTCCAGGGCTGGGCTCAGTCCCC
ACCCCATCCCCAGGTAGGCCAGGAGGCCTGGGCGGGACCTGCTTGGGGTTAAATACTCC
GGCCAGCACTCCCCAGGCCTCTAGTCCCAGTAGGAGGTTTGACTAAGATCAATCATGGT
AAGTGCCATGGCCATCTCCCTTGGGTGGGACATCTTCAGTAACGCTTCCAGAAGCACCT
>EP74249 (+) Hs PPP4C; range -499 to 100.

GGGAGTTAGAGACCAGCTGACCAACATGGAGAAACCCGCTCTCTATTAATAACAAAA
TTAGCCCAGCGTGGTAGCGCATGCCTGTAATCCCAGCTACTCAGGAGGCTGAGGCAGGAG
AATTGCTGGAACCCGGGAGGCGGAAGTTGCGGTGAGCCGAGTTCGTGCCATTGCACCCG
GCCTGGGCAACAGCAAACTCCGCTCTCAAAAAAGAAAAGACAGTTGTTTAAACATTTTT
ATGAAATGATATGGGAGGGGACTGGTCTAGGGTTTCTAATAGCCTCCACATCGCCAGCG
GCAGAGCCCACAAAAGTCCACTGGCCGCCACCGGTTCTCCACCTCCTTCCCGATCTC
AGGCTGGAGAAGTGGTGCAGGGGTGCTGCGAAAGGAGAGGAGCGTGTATGACGCCACAT
CCGGCGCGCGGCGGAAGTGGCTCTTTGCTTCCGCGCGGGGCGGAAGTAGGAGCGGC
GGCGGCGGCGGCGGCGGCGGTGAAAGCGGAGTGAAAGAGGGAGGCAGGGAGCCGGAGAG
CCGGAACCGGAGTCGACGCGCGGTAATAGTGCAGACTCCTCTAAGTACCGTCTCTAG
>EP74250 (+) Hs S100A1; range -499 to 100.

GGGGATCCAGGTTGAGACCCCAAGAGATCCTGGATTGAAATCCCTCTGTGGGTTCT
CAGACTCCCAAGACTAAGTTTCTCACTGAGGGTCTCTCAGTGAGGCCCATGGAGGAGC
CACAGACTAAGACCCCTCAGCAGAATCCCCCTTACCGGGCTCAACCAGCACAGCCAG
CCACAGGTACTGCAAGGCCAGCTTGGGGTAAGACATCCAGTGTCCCTCCCAGGACCTCC
TTCCACCTCTTTCCCTGCACCATCCACTGCTGCCTGGAGAGAAAGGAACGGGGCAAGC
AAGGCTGGGAAAGAGACAAGGCGCGCTGTTCAGCCAGGAGAGAGGGCGCCTCTGT
CTGCTCTGGCCCTTGCCCGACAGGGTGTTCGTCTGTGAAGGGGTGGAGTCGGTGGGG
GGTCAGCGGGGAGGGACTGTTGAAGACAGGTCTCCACACACAGCTCCAGCAGCCACATT
TGCAACCTTGGCCATCTGTCCAGAACCTGCTCCACCTCAGGCCAGGCCAACCGTGAGT
ACCCTGCCCCACTGGGCTAGTCCCTGGCCTGCCAGCTTCAGGGAGAGGGGTCTTCAGAAG
>EP74251 (+) Hs GARS P1; range -499 to 100.

TTTTGTCTTGACATCGGCGGACCAAGAATGTGTGACTCTGGGCAAATCATTAACCTCTCT
GGGCCTATTTCTTATCTGGGGAACATCTGCACTTGAGCAACAGAAGTCTAAGATCCCTA
TCTGATTTGATGTTTTGCGACCTTTTAAAGGCGCAGGGCGCGAAAGAACAGAAACAGAAG
TGTCGGTTCAAGTAGGTGCGCGGGGTGTCACTCGTATAAAACCTATGCTTTGAAGGTT
CTCGTGTGTCTCGGCCTGCAGGTCTCGCTCAGAGCTGTGTCCCTGAACATCCACCCTGCT
GGGGTGGCTTGACGCACTTCTGTGCAAATCTGTTGCTCGCAACCTACCTACCTCTCTC
CCGAACCGGAGAAAACCTTCGGCGGGGTCTTCCGGGTTTTGTGTGCAATCTGCGGCGGC
GACCCGGCGCGCGTACGCGGTGGTGAATGTGCGGCAGCACGCGCGCCGCGTCTTTAC
GCGGCGATTTTCATCATGCTCCGAGCCGGGCGGCGCGCGCTTCCGTGCGCACCTCTC
TGGACAGCCCAGGGCCGAGGCTCATGCCCTCTCCGCGTCCAGTGCTGCTTAGAGGTGCT
>EP74252 (+) Hs GARS P2; range -499 to 100.

CTGGGCCTATTTCTTATCTGGGGAACATCTGCACTTGAGCAACAGAAGTCTAAGATCCC
TATCTGATTTGATGTTTTGCGACCTTTTAAAGGCGCAGGGCGCGAAAGAACAGAAACAGA
AGTGTCCGTTCAAGTAGGTGCGCCGGGGTGTCACTCGTATAAAACCTATGCTTTGAAGG
TTCTCGTGTGTCTCGGCCTGCAGGTCTCGCTCAGAGCTGTGTCCCTGAACATCCACCCTG
CTGGGGTGGCTTGACGCACTTCTGTGCAAATCTGTTGCTCGCAACCTACCTACCTCTC
TCCCGAACCGGAGAAAACCTTCGGCGGGGTCTTCCGGGTTTTGTGTGCAATCTGCGGCG
GCGACCCGGCGCGCGTACGCGGTGGTGAATGTGCGGCAGCACGCGCGCCGCGTCTTT
ACGCGGCGATTTTCATCATGCTCCGAGCCGGGCGGCGCGCGCTTCCGTGCGCACCTCTC
TCTGGACAGCCCAGGGCCGAGGCTCATGCCCTCTCCGCGTCCAGTGCTGCTTAGAGGTG
CTCGCGCCGCTCTGCTGCTGTGCTGCCGCCCCGGCTCTTAGCCCCACCTCGCTCCTGC
>EP74253 (+) Hs SRP19; range -499 to 100.

CTAACGCAGAGCACACTGAAACACAACGTCTATAACTTTGCTAGTTCTACCACTACAAAA
ATCCATTTTGCCAACTGAAAGCAAGCTCTAGAGCCCAGGAACGGAGAAAAATTAACGCT
AAGGAGTATTTCTTCCCTGTCTAACATATATTTGCATCCTGAACCACACAGATTCCCT
CGTGGCACAGTCTTCGCCCTTAACAGAGAGTAGCTAGTACCACCCATACTCGCTGAGAA
ACTGGAACGAGGGAGGGTCAAGTTAAACCTTTTTAGTGGCGGTGCATGCGCCCCACA

TGGTCTTCCCGCTTGGGAAAGGAATGAGAAGCTTTCATGATTCTCTCGCGAGAAGGGAA
GTCTTCATGCCACGTACAGAGACTAGAGATCCTGGCGCCGAGCGACAGGTGCCGGAACAAA
CAGGCGATGAGAAATCGCGGACGCGGAACCATTTCTTGGGCAGGACTTCCGGCGGAAAAG
CGGGCTGTCTCGGAAACTCAGAGCCGGTTCCTCCCGGGTTTCTGCCGGGTTTCTCCCTG
CGGCTCTGGGTTGTTGAGACTCTTGTGAAGATGGCTTGCCTGCGCTGCCGCGCGGTCCCCGGC
>EP74254 (+) Hs RFXANK; range -499 to 100.

CCCCCGCCCTTGCTTATAAGCCTTTGAGACCGCAGAAGGGACCTTGTTGTGGAACGGGAC
GGCCAAGGTACGCTGCCCTTTAAGTTCCAGACGCCCGCTACTTCCCCTACTTCTTCT
TCTTGAGATAGCCCCGCCATCTACCCGAAGCCGGAGCCAATTGGCTCCCTCTGGAAAAA
TCTGTGGGCAGGGTAAAGGTGAGCGGGCGCAGGCGTAGTGAAATTCTCAGAGCCCTTAG
GCCCCGCCCATTCCTCCGAGTCGGTGAGGAGGGGAAAAAGGCGCAGGCGCAACTGCC
CTCCCAGGACCCAGCGGAACCCACGCCCTCCCCTAAGTCTTAAAGGGCCAGAGGCAGCA
CTTACTGCCCCGGGCCCTTCTCACTTTTGGGGGGCGGGGGTGCGCAAGCGCAGTGGGGGA
GCTCTGGGGTGGGGGTAGCGGTGAGATATCAAGTTGCTTTCTGTCCCGGCAGAGGAAGCC
AGATCGCTGAGGGTCCGGTCTCCAGTTTGCCTCCTGCTATATCCATTGGAAGAGAAAAGT
TTGTGACTTGGGCCCCAAGTTTGGAGAGAACTGGGCTTTCGGCGCGGGGGGACAGAGGA
>EP74255 (+) Hs EMD; range -499 to 100.

TAGCCAATCCATGCATTAGTGGCGTCCGGGCTCGCAGTACCGCTCGCTCCACCGCGAGA
CCTTCTGCTCCGCGCCCGCGCGGGCCCCCTCCCCCTCCATCGCTAGCCAATCCCCGTTTTG
TGACGTATGGGCTCGCGGCCCGCTCGCTCCACCGCGAGACCTTTTGTCCGCGCCCGC
GCGGGCCCCGCCCTCCATCACTAGCCAATCCCCGTGCTTGTGACATATGGGCTTGC GG
CCCCGCCCGCTCCATCGCGAGACCGGTTCCACCGCCCTGACTCCCGGGCGGGCCCCGC
CCTCTCCGCCGCTAGCCAATCCTCGGTTGATGACGTTTGGGCTCGCGGCCCCAGCCTCC
CAGCTCTCAGGGCAGGGCCGCTGTGCGGCTGCTCCCGCGGTTAGGTCCCGCCCCGCG
CAGCGCGCGCAGCTGCGGAGCCAGCGGCCGTGACGCGACAACGATTGCGCTGTGACGCG
ACAACGATTGCGCTGTGACGCGAGCGCGGCGCTCCCGATGCGCTCGTGCCGCCCCCGCC
GTGCTCCTCGGCAGCCGTTGCTCGGCCGTTTTGGTAGGCCCGGGCCGCCAGGCCTC
>EP74256 (+) Hs ANXA5; range -499 to 100.

AACTTGGGAAACGGCCCTCCTTTACGTTTTTCTATCCCATCGACAAAGGCGCGCTGTC
CTTAGCTGCGATGATTTTGTCTCGCTCCAAAAAGACGCCACGCACTATGTTGAGCACC
CAAGTGAGGTACGTTTCTGCGGTACAGAGGGCAGGGAGGCTCAAGCACCTCCAAAC
CCCGAGCCCTGGACAGTCCCCAGGCCCTTCCCGCGGCGCAGGACAAGAGGTCTCCGGG
GCCCTCGGGGAGCGGGCCCTCCTCTGTTTCCAGCAGCTCTGCGGCCGCTCCCCACCCA
GGCCCCGAGAGCCAGCGGGACAGTCCGCGCCGCGGGAGACCAACTGGGACGAGCCGCGAC
CCACGCAGGCGCGCTGAGGCCGGGGCAGGGGCGGGCCCGGCTGGCGCGGCCGGCCTGCGG
TTGGGGCCCTGGCGGGGTGGGACGGGCCAAGCCGGGCAGGGCCGGGGTGGGGCCGCTGG
CGTTTCCGTTGCTTGGATCAGTCTAGGTGACGCTGCCGGATCCTTACGCTGTGCATCTC
GGCGTCCGCCCGCTACCGTCCGCCGGCTCTCCGCCGCTCTCCGGGGTTTCGGGGCACT
>EP74257 (+) Hs PHF7; range -499 to 100.

GGGGAGGGGCGGGGCGGGACGGGACGGGGCGAAGGGGAGGGGCGGGGCGGGACGGGGG
GAAGGGGAGGGTCGGGACGAGCGGGCGAAGGGAAGAGGGGGTCCGGGCGATGCTGAGCG
CTGAGGCTCGAGAGGAGGGGCGGGACGGGCACTAGGCCCGGGTGCTGCGAGGGGAGG
GGCGGAGCGGGCGAGGGGAAAAGGCGGGGCGGGGAAGTGCTGGGCGCAGGTGGGGCGAGA
GGAGGGGCGGGGAGGCTAGGGGAAAAGGCGGGGATGGGCGGGGCTGGGCGCGGATGGTG
GGAGAGGAGGGACGGGGCGGGGCGGGCGAACGGAAGGGGCGGGGGCGGGTGTGGGCGCTG
AGGCGCGAGAGGAGGGGATGGGCGGGGCGCGCGGCCGTTAGCGCGCGGCCGTTAGCGGTC
GGTTTCTACTAACGGTAGGCGTCCCGCGATTCCCGAAGGTCATAGTCCGCGTGACCCAC
CCCCGTTTGCCTGCTGCGAGTCTTCCCGGCGCAGTACCGCGCAGGGCGGCCGCCCGGA
GGTAGCTACACGGCCTGTGTCAACGACTAAAGCTCCAGTACAGCGGCGCCCTCAGACAG
>EP74258 (+) Hs FXD3; range -499 to 100.

CTTTGGTCACGCTAGCATCTTCTGCTGATCCTGAAATTGTACCAGCGGCAAGATGTGGCC
TGGAAGGGGACTTTAAGTTCTCCACAACAGCAATCCTTCCACAGGCAAAACACAT
CATCTAAGGAAAAGAAGTGAGGTGGAACACCAACGCATCATCTCACTGCATGGCCCTGG
AGGCTCTGCCGTTTAAAGACCCAGAACCTTCCCCATTCAAGGTCCTCTCTGGGCACAG
GAGATTGGAGAAAGCTCTCCCTTAATTCCAGGGGCGGAGTTCCAGCCCATCCAATTCTC
CGTCTCACCTGAGGCTGCTGTGGTCTGGTGACCCAGGGAGCAACCTGCCGCCATGGC
TGGGGAGGGGGTGAAGCTGTCTTTAAGAGCAGGAATGGAGCCCCTGGGCCTCAGGGCA
TCTGACTTGTCTTCTACCTGCCAGGTTTGTCTAGGGCGTGGCAGCTTCGGATAAACGCA
GGACTCCGCCTGGCAGCCCGATTCTCCCGGAACCTCTGCTCAGCCTGGTGAACCACACA
GGTGAGCAGCTGGGGCCCTTCTCCAAGCCCTCCTTGTCTCTGCCCTAAATTAGGAAG
>EP74259 (+) Hs SPR; range -499 to 100.

AGCGGTGAGCTCCCAAACAAGCAGAGACTTCAATTCCTAAACAGGCATAAGCTTCATTCA
GGGTGTTCACTGGCCACGACCAGGGACGCCAGCACCCAGTGCAAGGCCTGCCCTGGAAG
AGGTCAGTAGTGCAAAGTTAGGGCTGGAAGTGGGAGGAAATTCGAGCATGCGTCCCAGCC
GGAGGCTGAGCTTGCGGGCGAAGAACACGGCAGCGCTGGGAACCGGGCTAGGGCTTTCCG

TGTGGGCCGCGCCTGCCGGCCCTCTCTGTTGTCCACTTGGCACGGACTGGGCTACCGCC
ACGGTTTGACTTCCGCCACCAAGCAAGGAACAGATCCCAAGGGAACAGCACCCC
TGGGCGCTCGCGGCCCGAAGCCTGAGGTTCCCGCCCCGCCCCGGCAGGGCGGCCCGCCG
ACACCCGTAGCGGTCCCGCCCCCGCGGCCGACCGCCTCTGCTGGTCTCGGGTGCCA
GCGCCGCGCGGAGAACAGGAGCATGGAGGGCGGGCTGGGGCGTGCTGTGTGCTTGCTG
ACCGGGGCTCCCGCGCTTCGCGCGGACGCTGGCCCCGCTCTGGCCTCGCTGCTGCTG
>EP74260 (+) Hs RPS7 P1; range -499 to 100.

ACCTTTCGGCTCCAGCGATCTCCCGCGTCGGCCTCCGGGGTAGCTGGGACTGCAGGCGC
GCACCACCATGACTGGCTAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGACATGGGGTCTCGCCAT
GTTGCCCAGGCTGGTTCCTGAGCTCAAGTGATCCTCCTGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTG
GGATTACAGGCGTGAGCCTCAGCGCCAGCCAAGTTAGCCTTTTTTAAACGTCTGTCTC
CGGAGGTTGCCGAAGTTGGTTTTCTTCGGCCTCCTTCTCTCTCCAGGCCAGGGCTGGG
ACGAGGCCGGTTCGCCCTGCAACCTGCACTGAAGACGGGAACCTTGGGAGCCGGTACCG
GAACGCTCGGAAACGGCACCAAGTACGAATCCTAGGGCGGAAAAGCGTTACCAAGACAC
TCGTCCCCAGAGCCGCTTCCTGGGACTCTTAGCCTCTACCGCTTCTCAGTGATGTTCC
GGTTTCCGCCCTCCTCTCGCGCTGTTTCCGCCTCTTGCCTTCGGACGCCGATTGTTGAC
GTGCTCTCGCGAGATTTGGGTCTCTTCTAAGCCGGCGCTCGGCAAGGTAGGTTGGCGGC
>EP74261 (+) Hs RPS7 P2; range -499 to 100.

ACCACCATGACTGGCTAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGACATGGGGTCTCGCCATGT
TGCCCAGGCTGGTTCCTGAGCTCAAGTGATCCTCCTGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGG
ATTACAGGCGTGAGCCTCAGCGCCAGCCAAGTTAGCCTTTTTTAAACGTCTGTCTCCG
GAGGTTGCCGAAGTTGGTTTTCTTCGGCCTCCTTCTCTCTCCAGGCCAGGGCTGGGAC
GAGGCCGGTTCGCCCTGCAACCTGCACTGAAGACGGGAACCTTGGGAGCCGGTACCGGA
ACGCTCGGAAACGGCACCAAGTACGAATCCTAGGGCGGAAAAGCGTTACCAAGACACTC
GTCCCCAGAGCCGCTTCCTGGGACTCTTAGCCTCTACCGCTTCTCAGTGATGTTCCGG
TTTCCGCCCTCCTCTCGCGCTGTTTCCGCCTCTTGCCTTCGGACGCCGATTGTTGACGT
GCTCTCGCGAGATTTGGGTCTCTTCTAAGCCGGCGCTCGGCAAGGTAGGTTGGCGGCCT
GCTCTCCGACAGAACTTTCTTCTTGGGTTGAGGAAAACGCCTTTTGGAGTCAGGCCCTG
>EP74262 (+) Hs RPS7 P3+; range -499 to 100.

AGACGGGAACCTTGGGAGCCGGTACCGGAACGCTCGGAAACGGCACCAAGTACGAATCC
TAGGGCGGAAAAGCGTTACCAAGACACTCGTCCCCAGAGCCGCTTCCTGGGACTCTTAG
CCTCTACCGCTTCTCAGTGATGTTCCGGTTTCCGCCCTCCTCTCGCGCTGTTTCCGCC
TCTTGCCTTCGGACGCCGATTGTTGACGTGCTCTCGCGAGATTTGGGTCTCTTCTAAGC
CGCGCTCGGCAAGGTAGGTTGGCGGCCTGCTCTCCGACAGAACTTTCTTCTTGGGTTG
AGGAAAACGCCTTTTGGAGTCAGGCCCTGGAGGGGCGAGCCTTGCTCACAGGGTGGGGAT
ACAGCCGATTACCCGCCCTGTGCTTTCGATGGCTTCTGCGGGGCGAGCGGGGCTGGCC
GGGGGGTGCGGGCGGGAGGGCGAGCCAGCGGCCTGACGCCCGGGCCGCGTAACGCTGA
CCGCTGTGCTTTCAGTTCTCCAGGAGAAAGCCATGTTTCAGTTTCGAGCGCCAAGATCGTG
AAGCCCAATGGCGAGAAGCCGGACGAGTTCGAGTCCGGCATCTCCAGGTGAGAGGGTTT
>EP74264 (+) Hs PSCD2; range -499 to 100.

CATGGCAACCTTTGCGGTGAGAAGCCAGCATGGCCTGCTAGGAGGTGTGGCTTACGGAAA
CAAGCCAGTTCTAGCCCCGCCTCTAGCAACAAGACTAACAAAGTACCGCCCCCTAGCAA
CGTATTATCGGAGGCGGGGCTCGGTTTACCTAGACTCCAAGTGTCAGGGCCTTTGAGCA
GGCGCAGAGGTGGCTGTACCGCGTGGCTCCGCCTCCGCGCGACACTTTTCCGGGGCTTCT
CATTGGAGAGCAAGCCTGTCAAGTGCTTCTGTTGTTTCGGAGGCGGGGCTGCTGCCCT
GCCTGCACTCCGATTGGCCCCCGGGGCCGTCTACCTCTGGCCGGACATACCTACACCGGC
TTTTTGTACGACTGTTGGCCCTGGAGAACGATCCTTTGGTGGCGAGGGCGGGGAGGACGA
AAGCGCCCACTGTGGATTGGACAGTGTCAAAAAGAGGGGCGGTCCCTACTGAAGGGGCGG
TTGGGCGACGAAGGGAAGAGTCTTTTCAGCGCTGAGGACTGGCGCTGAGGAGGCGGCGGT
GGCTCCCGGGGCGTTTGAGCGGGCTCACCCGAGCCGCGGGCCAACGCGGATCCAGGCC
>EP74265 (+) Hs PQBP1; range -499 to 100.

GTGTCTTTTTTCGTTAACAGGGCTAGGAGATTACGAAGTCAGGAGAAACATGGCGTGGTT
CGGCCCTCGCCGCACCTTCTCTGTTGTGGCCCTCATAACGGAGCCCGAATGACAGGAA
CCGAGTGGGGGTAGCGGGAGATACGTTAAGAGTCCCCGAGTCTGGTACATGGCTCTGTG
CGGCCGATGCCTCCCCCGCCGACCCACGGCTGGCCTTGGCGTCGACGCAATATTCCG
GATGCCTGTGCCATTGCCGTACCAGGGCTCCCGAGCGTACTCTCCATGGCGCTGGCGT
CTGGCCGCGCAGTCAGGCCACGCCCCAGCGTAGACGCACACCGGCGTCGGAGCTTTCCG
CCTATTACCGGGCAGCGATTGGGTCGCTATACCGCATGTACGCCAAGGACGCACTCTCA
TTGGCCAATCGAGTTTCTGCCATTTGTTTCATTGCCTCCTGAGCGTAGTCCAGTTACTTTC
AGGCTCGGGGAGTGAAGGCCCTCGTTGAGAGAAGGTCTCATTGCGGTGTTTTGGGAAGAGAG
TCGTGTGGGCCCAGGTATCGTAGCGGCGACACGAGAGAGACGGGCGGTGTGACAGCCTTC
>EP74266 (+) Hs CDK5RAP1; range -499 to 100.

AGGTGGGAGGATTGCTTTAGCATGGGAGGCGGAAGCTGCAGTGAGCCATGATCACACCAT
ATTATTTTTCCCGCTGCTAGCCACATTGAAAAAGTAAAAAGAAACAACAGGTGAACCTAA
TTCAAATATTTCTACCACCATAGCTACAAATAAAAAAACTAATTCAACAAATGTACTTA

TTTAATCCAATATATCCCAACAATTATTGCAGCACATAATCAATATAAACATTATATATA
TGAACTATTTGACACTATTTGACATTTCTTCTTCCACATCCAGTGTATCTGACATTTAGC
GCACATTTGATTGCACTACCCACTTTGAGGAGCTCAATTGCCGCTTAAGTCCGTGGCT
AGTGGCTGCCCTAAAGTTCAGCACCGCCACGGAGCTTTGGGTCCACCCGGACTGTAAAAA
GGAAGCACTTCCGTTAGCATGACCCGGCCTGAAGTAGCGCGGAACGGAAGTCGCTTGTG
TATGAACGCAGCGGCGGACCTGTGAGGGGATCCGACTTGCCGGCAGAACTTACGCTGCGG
GACCCCGGGCACTGTTGCTGCTGCGGGAGGTGAGCAGCGCGGCCGCGGGGTGGGCTGCG
>EP74267 (+) Hs HSPA9B P1; range -499 to 100.

CAAGACAAGATGGCGCCGTCTCCAGGAGCGGGAGCTGGGAACACGTCCACGCCCGGGGG
GTGTGCACGCGCCCGGGCTCGCCCCAGGGAACGCTGGCGTGCACCTCGGGCACCCAGTGAG
CGCCGCAGTTAGTCTCCACCCATGTTTTCCGCCACTCCTTGCGCACATGCGCTCTAGGTT
CTTAGCTGGATGTCTGTTGCGCCAACAGGCTCCTCCTCCCGCGCAACTGACGCAAGAAGA
CTGTAATCGGTTTCGCAATTTATCCCGTGTGACCTTGAGTCTTTCTGTGCGCGAGGACCG
GGGCTGTCCGAGATACGGCCTTCATATCCCTCTTCTCCCTGGACTCTTTCTGAGCTCA
GAGCCGCCGAGCCGGGACAGGAGGGCAGGCTTTCTCAACCATCATGCTGCGGAGCATA
TTACCTGTACGCCCTGGCTCCGGGAGCGGCAGTCGAGTATCCTCTGGTCAGGCGGCGCGG
GCGGCGCCTCAGCGGAAGAGCGGGCCTCTGGGCGCGAGTGACCAACCCCCGCCCTCACC
CCACGTGGTTGGAGGTTTTCCAGAAGCGCTGCCGCCACCGCATCGCGCAGCTCTTTGCCGT
>EP74268 (+) Hs HSPA9B P2+; range -499 to 100.

CGGGCTCGCCCCAGGGAACGCTGGCGTGCACCTCGGGCACCCAGTGAGCGCCGCAGTTAGT
CTCCACCCATGTTTTCCGCCACTCCTTGCGCACATGCGCTCTAGGTTCTTAGCTGGATGT
CTGTTGCGCCAACAGGCTCCTCCTCCCGCGCAACTGACGCAAGAAGACTGTAATCGGTTT
GCAATTTATCCCGTGTGACCTTGAGTCTTTCTGTGCGCGAGGACCGGGGCTGTCCGAGA
TACGGCCTTCATATCCCTCTTCTCCCTGGACTCTTTCTGAGCTCAGAGCCGCCGAGC
CGGGACAGGAGGGCAGGCTTTCTCAACCATCATGCTGCGGAGCATATTACCTGTACGCC
CTGGCTCCGGGAGCGGCGAGTCGAGTATCCTCTGGTCAGGCGGCGCGGGCGGCGCCTCAGC
GGAAGAGCGGGCCTCTGGGCCGCAGTGACCAACCCCCGCCCTCACCCACGTGGTTGGA
GGTTTCCAGAAGCGCTGCCGCCACCGCATCGCGCAGCTCTTTGCCGTGCGAGCGCTTGT
TGCTGCCTCGTACTCCTCCATTTATCCGCCATGATAAGTGCCAGCCGAGCTGCAGCAGCC
>EP74269 (+) Hs BOP1; range -499 to 100.

CGCGCTGCCCTCACC GGCTCCAGCAGATGAGCGCGTCGGTGTCCGGGTGCTCACGAGG
GTCCACAGCTTGGTCAGGAAGGCCGGGACGTTGCTGGGCCCGCCGCGCCGGGGCCACG
GGCAGATCCATCTCGAGCAAGGAAGTAAGCGGAGGGAGCGGGCCGAAAGAGGGGCCG
AGGGCCGGGCTAACGCCGTCCGCGGCCAGCCTTCCGGGCGCGCGCCGCCCGCTGCGC
ACACACAGCCCCGGGGCCAGCATGGCCGCCGCGCATCTTGCAACGGGCGCGCTCCCGCCG
CCGCCGCTGCCGCCCTCCCGCGTCAACCCCGGCGCGAGCACGCAGGCCCGACCCCGCCC
TGGTCCCGGCCAGCGCGCGCCTGCGCGTGTGGTCCCACCCCTTCCCTCCACCCGC
CAATCGGGGCCGGGCTGGGCGGGGCGCGTCTCCTGCGCACGCGGCCCGGTGCTGTGCG
AAGCGGCTGTGCGGGTGGCGGCCGCGCGCGGTGGGGCATGGCGGGTTCGCGGGGTGCGG
GGCGCACGGCGCGCGGAGCGTGC GGCCGAGAAGCGGCGGTCTGAGCCGAACTGGAGC
>EP74270 (+) Hs PRAME; range -499 to 100.

TTTCATCTGTGCACTGGGAACCCGAGCTCTGTTCACTGGCATGGGGATGCCTCGGGGAA
TGGCAGGGCAGAGCCACAAAAAGCCAGCCTCACACGCGGCTGTTGCTCTTAGCCACCA
TGCCCATCATAGCCTGTGGCAGGAGATGTTGGGGTCCCCCCCCGACCCCTTTCAGGAAA
ACAGAGTTTGTGGAGGCGGAGTACTTCCAGGCCTGACTGATAAAACAATTCAAAGACT
CAAAGAGATTCTCGCCTGTCCCGTCCCTTGAAGGGCCTGAACACGGGGTCTTCCGCT
TGGCTCCTAGCCCGTCCCTCTCCCTTACCAGGAAAGGATCCTCCCCATCTCTGCAGAAG
CCTGACCATCCCCCTAGAGGGCCTGGGAGGAAGTGGGTTTTGCATACAGTCCCTGTTGAC
TCTAGTGCCCCCTGCTGGCCCCAGACGCGAGTTCGGCGAGGCTTCAGGGTACAGCTCCC
CCGACGCCAGAAAGCCGGGCTCGAGCGCCTCAGCACCGCTCCGGGACACCCACCCGCTT
CCCAGGCGTGACCTGTCAACAGGTTTGTATTGGCGACAAAAGGAGCAGCCCTGAATGTAG
>EP74271 (+) Hs HLA DRB3; range -499 to 100.

AAGATTGCAGTGCCTTCATTTCAACTGTGAGACATGAAATAATTTTCCAAATCTACAAC
ATTAAGATACGGTGCAATAAGGACCAGATTAAAGGTCTCCAATTTACAACCATGTTCCCT
CCATCTCCTTTACTCCTAAACACACTCACACACTCACTTCTGCAAACAATTGTCTTGTC
AGTGGGAAATGAATGCTCTTACAAGGCTCAAACCTTGTGAACACATCACTGACCAGCACAG
AGCTGGCTCACGATAGGGACCCAGTTAAAGTGTTTTACGTGCAACTGGATCAAATCTTTC
AAGTACTAATTTAAACAATCCTTTAAATAAGGAAATTCGTCTTTCAGAAAGAGGACCTTCA
TACAGCATCTCTGACCAGCAACTGATGATACTATTGAACTCAGATGCTGATTGGTTCTCC
AACACGAGAGTACCCAAACCAGGAGGAAGGAAATCAGTAACTTCTCCCCATAATTTGGA
ATGTGGGTGGAGGGGGATCATAGTTCTCCCTGAGTGAGACTTGCTGCTCCTCTGGCCCC
TGGTCTGTCTGTTCTCCAGCATGGTGTGTCTGAAGCTCCCTGGAGGTTCTACATGGC
>EP74272 (+) Hs TOMM40; range -499 to 100.

CTGGAACGTTAGCCAATGAGAGTACCAAGCTGATACGCCACCAAGGTCGACCCCGTACAC
GCTGGAGCCAATCAAAATGCTGCAAGGGTCAAAGCCGACCAATTATCACAGCAACCTCGC

CGCGGGGCGGAATCAAAAGAGGGCTCCTCCAGGAGAGAGCGGGGCGATGCCTCAGCGG
GCGTGGCAAAATGCTCAGCACAGACCAATGGCGGGTTAGCACCGGAACCCGCGGCGACGC
GAGCCAATAGGCGCAGGCGCTGCGAGCCAATGGGAAGGGTGGGAGGGGCGCCGTGGCTAC
CCTGCGAGTGAGAACCAATACAAAAGGACATTTAGGGAAAGTGGGCGGGACTTTATGCA
CAAGTCCAATGGGAAGACCGAGTCTTGACGCTGGTGGCGGGCCTCAGGGCACACTAAAC
CAATGGGCTAGTGGGGCGGGGCGACGGTGGTGGCGGCGGCGAGCGGGTTCGGTTGCG
CGTGGCGCACGGGTGGGAGCGGAGCCAGGCCGGGAGCAGGCGCCGCCAGTGAGAA
CCGGGGCCGGAGCCGGGTGCGGATTTGCTGGGGCTGAGTCGGGGGCGCGGGGCCCTGAC
>EP74273 (+) Hs PMVK; range -499 to 100.

TGCGGCTAGAAAAGCAATCAAAGGTTTCTCGCCGGGCTTAAAGGGCCACATCTTAGTGAC
GTCTCGGGTTATAAAATCTGCTTGACAATGAAATATCGTGTGCGGATTCTGCTCCTCCC
CCGACATGACGTGGCCAGACACGCCGCTCGCGTCAGGGCTGCCTTACGCCCCAGGAAGA
CCCATTCCCCTCTGGGGCGCGCGCAGATTTGCTGTGGCACATGTACTATAACGCACAGG
CAAAAGGGCAGTTTCAAAACGTCTCCAACGTGATCTCACTCCAGAGATTTTTTTCCTA
AAGTTTTAGGGCTGCGCGGAAGGGAACATGGGGTTCACCTCAGGAAATTTAGACGTCAC
CCCCCTCGGAGGAAGGTAGTCGCGTCCGGTTCCTCCCCGGGTGTAGTTAAGCAGGCCAG
GCTGTGAGCGAAGGTTCTGGGCGGGCTGGACTGTTCTAAGTGAGTTCGGGTGGGGGAGC
TTCACGAGGGGAGGCTGCTCTGTGAAGGAACCGCCTTTCTCTCGCGTGTCTACCCCTTT
TCTCCCCATATCTGTTTGACATGAGCTGAGGGCACGGTCGCGGGCGGTGAGCCCTGTTT
>EP74274 (+) Hs KARS; range -499 to 100.

GCAGTCCAGGATGTACTGCGTGGAGATGAAATCACCCGAGGCCTCGGCCAGCGCCTCCCC
GGGCTGGGCCAGCAGCACGGCCCCGGGCTCCTGCACTCGGCACACGGTGCCGCCGCCGTG
CAGGATGAGCGTCGACAGCCGACGCTTGCCGGGCTGGGCCGCACGTAGAAGGACATGGA
GCTGCCGTGCTCCCTCACGAACAGAGTCGAGGAATGGGTGGGCCCGTTGGGGTCTTTGCC
CAAATCCATCGCTCCGCCATGTCTGACGCCGAGCACTACTAGAAGAGCTACCCCTCGC
GAGCGCCTGGCACACAGAGCTCAACTGACTGAGCTGTACCCGACAGCGCTCTGCCGCGA
AGCGCAGCACTGGGCCTGCGCAGCAGCAGCCGCGGCGCATCGAGAGTGCCCGCCCCCTCT
CCCCCGGAAGAGGTGGGGCTTCGCACCTTGACCTGGAATTAACGTACTATCCTCCTTAC
TTTTGGGTGGGCCCTCCGGGAAGATGGCGGCCGTGCAGCGGCGGAGGTGAAAGTGGAT
GGCAGCGAGCCGAACTGAGCAAGAAGTGAAGTGTGCTGCGAGTCTTTAAAGCCTTTGCG
>EP74275 (+) Hs CKAP1; range -499 to 100.

GCTCCCCGCCGCTCGGGCTCGGCTCTCTCCGCGCAGAGGTTTCATGGCTTGCTTCAATC
TTTTGATATCTTAGAGTAATTGCTTCCAATTTTGGGCATCGCCGCTCAGTTTACAGAA
TAGTATGGATCTGGTGCCAGAGCCGGGAAACGATGCGCATCGTAAACCGCAAAACACTG
AGCATCCAGGACAGAAGCCAAGGCGCTTGCTTGTTGAAGGCCAGTGCGCATGCGCGAG
TTTACCCTTCGCGGACTGGGCGAGCTCTTGCCACTCCTACCTCCGGGCTTCAGTCTTCGC
CGCCTGTTCTGGTCTTTCCCGGGCCGCTATTGGAAGAACCCTGAACTATGGAAGGCCCC
TCTGGATTGGCTGGGCTGGCCCAAGAGTAAGGAGAGCCCTTTCTGCGGCTGGGGAAGG
GACGGCGGCGATTGGCGGACGCTCTGGCAGGAGAGCGCGGATTGGTCAGGCACGGAGCA
GGAGGCGGGGCTGATAGCCAGCAGCAGCAGCGGCGGCGGCGGCTGCGGAGCGGGTGTGA
GGCGGCTGGACGCGCTGCAGGCATCCGACAGGCGCGGCAAGATGGAGGTGACGGGGGTG
>EP74276 (+) Hs TM7SF2; range -499 to 100.

TGGAGTGTGTGCGGCTGCGCACCTTTGGGCGCTTCGGGCTGCAGCAGGTGCAAGTGGACT
GCCACTTTCTGCAGCTCTACCTGTGGCGTTTTGTGGCCGACGAAGAACTCGTGCATTGTC
TGCTGGACGAAGTGGTGGCTCTGCTGCCCTGCGCTGCCAGACCTGTGCCATGGAGC
CCAGTGTGGTTGAGGTCTCTGCGAGCGCGGCTAGGCGCAGCCGTGCCATGCACCGGTC
TGTCCTTGACCCCATGGCACCCAGGATCTGGTCTCGGTGGTCTTCCCCGCAGGCAGGT
GTCAGGACCGGCTAATAAACATGTGTGCCTCTCTCTGCTTGCTGGGCGGGCCTTT
CCGGGGGCGGGGTTTTGAAGCTGAGGCTTCTGAGGCGCCGCGTCCGGTCCGCCCCGAG
CGCCGATTGGCTGGTGTGCTGGGCCAGCATGGGCAAGGGGCGGTTCACTTAAAAACCC
TGGGACGAGAGCGGTCCTTGCTGCGTTCCGTGTCCAGGCAGGTGCAGGCGCCGCGGGGC
CGGATCTCCGCGCGGCCGAGTCCATCTCTGGGAAATGGGGCGGACAGTGTTCCTTGA
>EP74278 (+) Hs IFRD2; range -499 to 100.

GTGCCATGGCCACGGGCGCTGTGCCCGGCGAGATCCAGGACAGATGGAAGCCTTTCTACA
CCTGTGGCCAGACGGCAGCCTTGAGAGTTGGAAGTCTTCAGTGCCACTGTTACTGGGG
CTGGGCTGGCCCCACTGCCAGGAGCCAGGCCTGGGCCAAAGAAGCAGTATAAAGCCA
GGGCCCCCTGCCACTGCCTCTCTTTTCCCTGCTGCCACTTTTCCAGTCTGGAATACTC
TGTCCTCACTCTTGCTCTATTAGTTTACAGTCAACCCTCCCAAGCACACACCCCGCTTCC
CTTGGAATCCCTGAGGGGTAGAAGGGGCCAGAAAAACGCTTATAAAACAGAGGCCCTC
TGAGATCATGTGAGTCTCCATGGCAAGGAAGCAGTTCAGGGAGAGTCAGGTTCCAGCT
AGTTAGGGCTGCCAGCCTAGGGCTTTGTGCCTACACCTCACTAAGCCCATGGAGAGGTCA
CAGATGGGCCGTGCACGGGCGAGATGGGCCCCAAAAATCTTGGCGAAGGTCGGTAAAGTG
CTAAGCTGTTGTCTGCACTCTTTCATCATAAAGTCACTTTTTCCACTGCCTGAGGTTTG
>EP74279 (+) Hs NDUFA8; range -499 to 100.

ACATTTTAAATATTCTTATTCCTATGTTTAAAACTGGCAGATAGCACACACACAGTCA

ATGCACACACACATATAAGTATATATGGAATGAATGCATCTTAGCTTTGCTGCTTATTAG
ATATGGTCCTTGAAAAAATTAAGTCTCGGGCAAGTTTGTGAAAGTGCCTGGCACAAGGTGTTT
CGCAGAAGCAAAAAGCCGTCTTTTTCCAGTCACAGCTATTCAAGGTATAGTAAGTGAATC
AAATGAGCCCCTTACCTCCCATCTACATATTCCCCGATATATTTGCTCCCTGTGTACTCC
ATGGCGCCTGTTTTTAGCTTCCAGCTGTTAGGATCCGGAGTCTCAGTGGATACGGCATCA
CTATGACAACCTGGAGGGGTGGGCGGAGCCGAATCGAAGCCCCACCCCGCTGGAGGCTGA
AAAGTTCTTGGTATTGCGCACGCTCCCTCGCTCGTGGTTGGGCAGGGCAATACGCTGCG
TGTTGCCGGATGCGCATGCGCAGGCGCCGTGTGGCACTCGGCGGTGAAAAGGGGAGTTCA
AGGAGACGGGGCGACGCGGCTGAGGGCTTCTCGTCGGGGTGGGGCTGCAGCCGTCATG
>EP74280 (+) Hs PRDX5; range -499 to 100.

GGTGAAAGACCTGTGCGGTACGCGCCGCTACCGGAAGCGTCTCAGCAGGAGGTTCTCTAC
GGCGCACGCCAGCTTTTTTTTGCCACAAATCTTCGTAAGATGCAAATCATATGCAAAA
TAGCTGCAATGCAGGAGCTCTCGTTGAATGCAAAATAAACACATTTTACTCTACACAGG
CGCCTAACACCGTCGTCTCTGTATCCCACTTTTCGTTAAGGGGCAGAAATACCGCCCTA
TCTGTAAATTAGGCCCATGGAAGCCGAGCCGACCTCATTCTATATGCAAAATTAGCTGC
TCCAGTGCCGAAAAGCTCCGCCCATTTGTAGTTGCGTCCGCTGTCCAGCACCCAGTGCAA
ACGAGGCGTGGGTCCCGGAAGCTCTGTTCTGCGGGTGGCCGCTCGCGCTGCGCAGTGGA
GGCGGCCAGGCCCGCTTCCGCAAGGTGTGCGCGCTGTGCCGTAGCGGTGCCCGCGCT
GCTGCGGTGGCACCAGCCAGGAGGCGGAGTGGAAGTGGCCGTGGGGCGGGTATGGGACTA
GCTGGCGTGTGCGCCTGAGACGCTCAGCGGGCTATATACTCGTCGGTGGGGCGGCGGT
>EP74281 (+) Hs PLDN; range -499 to 100.

AAAAGTGCAAAACCTAGTTAGCAAGGCTGAGGCTCGCAGAGACCTAGGCATCGAATTT
TTTAATGGTCCAAATCGCAGGAAAGCGAGCACTCCCTGTTCTGAAGGTTTTCCCTAAAC
ACGGAGACAACACTAAAAAGCTGTGCCGCTGAGGGCTGAAAGTCTGTTTTCTCCCTAG
CTTCAGTGAAGAAAGCCTGACGGCTCCCCCGCTCCAACAAAGACAACGCTCTTCCGGTC
TTCGTGACCCACCCGTGAGCAGCCAAACCGACACCGTCTCCCCAGCTCCACCAA
TCGGATCGCAGGGAAGTCTGAGCCCCACACTGCTGAGTCCGCTGACACTGCGTCCGGGGCCA
GACGACGATATCAGCGCGGGTCCCCACAACGCCATGGGGCAGAGCCAACCTCTCGAGCGC
GTGATCGAAGCCCGCAGTTTTTTCGCCCCGTCACTTCCGGGTGCGACAATCTTTCTGT
CCGGCCAGCGCTGGAGTCGTTAGGTGCCGCTTGTCTTCTGACGAGCCACACGTTTGCTT
CTTCCCTGTGTCCAGCTGGAGGGACATGAGTGCCCTGGGCGTCTGCTCCGGACGGG
>EP74282 (+) Hs HMG20B; range -499 to 100.

TGCTTGTGGTCCGCCCCACAGCCCTTCTCTGGAAGCTGAGACCCCGCCCCGTGCCA
GCTGCCACGCCCTGACAGGTCTCTGCCACTCTAAGTCCAGGCCCGCCACCGCACAA
TGCCAGCTCTGCCACTCTAAGGTCCCGCCACTTCCACTCCTTGGGGGCGGCACCCCTCC
CCTTGGTCTGTGGGCCGTTCTCCAGCAGAAAACACGCCACCAAGCAGAGGCCACGC
CCACAACCGAAGTCAACGCCAACCTGTACTCAAACCTCGGCCCATAGTTCTCAGATCC
CCTCACCCCTGGCCAGGGATCCCTCTAACCACCGTGTCCCGACTGCTGACCGGGCCCTA
CCTCCATCTTTCCGGTTCTTCTCCAGCTAGGCCCGCCCCCATCCCCGCCCATACG
CGTTAGGCCCGCCCATGCCCCTCTGAGCCCTGCCCCAGTACGCCAGGCCCCCTCCCAA
CGACGCAGCCCGGTTCTGCGAGCCGTGAAGAAACGCGGTGGCCCAAGGGCAAGAAGCGG
AAGAAGATTCTGCCGAATGGGCCCAAGGCACCGGTACGGGCTACGTGCGCTTCTGAAC
>EP74283 (+) Hs COX5A; range -499 to 100.

CTCACTGCAGCCTCGAACTCCTGGGCTCAAGTGATTCTCCTGCCTCACCTCCCCTGTAG
GTAAGACTACGGGTATGCACCACCATTCAGTTAATCTTTGATTTGTTTTCTTTTGT
GAGATGAGGTCTCACTATGTTGACCAGGCTAGTTTGAACCTCTGGCTCAAGCGCACCT
GCCTTTGCCTCCCAAAGTGCTGGAATTACGGGCATAAGCCACTGAGGCAGGCCAAGGAAA
ACTTTACCTTATAATAGAATGCCAACTAATAAATGTAGAAATAATAATGTAATTAGAATA
GCATCGTTTGTCAACCATTAAGTAATAATTGATTTAGTAAGAACCAATAATGGATGCT
AAAGCCAGTGCGGGGGTGTGGGAATGTGATGAAGAACACGATATTCAATATAACATAA
AAGTAGCTCTCGCCGGCCCCCGCCAGCTGCGGAGCAACCCGCGAGCGAGCTCACACCGGT
TTCTCTCCATCCTCAGCTTGCAGCCACCATCGCGCTCGTGCTGGGGCCGCTCTCCACCG
CTGCGCGGTGACTGCAACCGCCGGGCGGCCCTCGAGGCTCTGCATTCCGCCCAAC
>EP74284 (+) Hs TIMM9; range -499 to 100.

TTCAAACCCGCCCTTGAGACACAACACGCATGCGCGCCAAGAACTCACCCAAAACATCC
AACCAGAAAGCTAAGCGCTCTCTGGTGCTCTTCCATTCTCTCCGGGTGGAACAAACTC
CGGACATAACAGGGGTTTATTTATTTATTTTAAAGTAGCACATTGCCGCACAAGAC
CGCTCTACAGTCTCATCAAGACTTGAAGAGCTCCCGACTTGTAACTACTTGTGTTA
CCAGGGACTGTTGACACTGCTTCGCTTCCGAAGACCGTTAGGGACGTGGGATTAGGTAAA
TTAGGCTTCCAAGAAGTTTCGACAGATTCGGGTCAATTATGGAGAGGAAGTCGGGAATAG
AAAGCGTTGTCTAAGCAGAAAATAACCGAAGTTAATCCTTAGGAGATTTTAGAATTCGCT
GATGGTACCTGCTTTTTCTTCTAGATTTCTCGCGTTATAACGAATCGGCGTCTAAGGGT
TTAAGTGTCATTGACATTACTGCTCCACGTGTTCTTTCCCATCTGGCGGCCGCGGCTC
CTGTCCAGACCCTGACCCTCCCTCCCAAGGCTCAACCGTCCCCCAACAACCCCAAGCCTT
>EP74285 (+) Hs DPH2L2; range -499 to 100.

GTGGTGCGCCTGTAGCCCCAACTACTCAAGAGGCAGAGGTGGGAGGATGGCTTCAGTCCA
GGAGGTGAAGGTTGTGGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGTCCAAGCAACATAGCGAGACC
TTGTCAAAAAAAAAAAAAAATGAATGAATGAAAGAATTATGCAGTGATACTGCCAGAGG
ATAGAGTGCACGTGAAATGCTTAACAGTGAAGTCGGTGTTCCTGATGGCCGCGGGTCGGC
TGAACCGGACTCCCAGCGCCCGAGAGGAGGCCAGGGGAACTACAATGCCACAAAGGCTCC
GCGCCTTCCTCGATGTACTTCCGGCTGGCCTGGGACTCAGGCTGAACATTGGTTCTCTGT
GCGGGGCGGTGGCGGGGATTGGAGGGCGGGAGCTGTGCTGACTTAGGATTGGCAAAATCG
CTATCAGCCACGCTCTAAAACCCGGAAGTAACCTCCCCGGTAGTCCACGTGTAGCGGA
GAAACAGTAGTTAGGATGGCTGAAGGGGATACTACCCGGCTGAAGGCCGACTGTGATTCC
CCCTACCCCCACAAGGCGATTTTGACCCCCCTGAGGGCTGCTCTAGAGGACTCAGGCCCG
>EP74286 (+) Hs CASP6; range -499 to 100.

AAAATTTTGAATATTGCGAGAGTACCAAAATGTGACACAGAGACACAAAGCGAGCCAAT
GTTGAAATACAGGCAGTATCTGCTAAGCGGTATAAAACAATCTATGCCTGTACCTCTAGA
AAGTACAGGCATAGCAAAGTAAGGAATAGCAAATGTTTGGGGCAGCTGGGATTAAATGAG
TCCGAGCTCACACAAGTGATGTGAAATTGCCTCGGGCTAGGCGGTCTGTGTGTCCCCCG
GGTGGCAACTGGCATGTCCCCAGGGCAGGTTAGTCCAGCGGGCCTGGAGGCGAAGACC
GCGTACCTCTCCCTGCCCGCGCTCTTGGTCCCCGCGGGCTCCGAGCGACTGGGAGGA
GCTTTAACTCTGGGAAGGACCAGCCGATCCACGGGAGCCGGGCGGCGCGCAATCAGAA
CCAAGTGGCCCCACGCTCGGGGGCAGGGGGCGGGGCCCGAGGAAGGGCCGAGGGCGGG
GCCGGGCCGGGAGCCTGTGGCTTCAGGAAGAGGAGGGCAAGGTGTCTGGCTGCGCGTTT
GGCTGCAATGAGCTCGGCCTCGGGGCTCCGAGGGGGCACCCGGCAGGTAGGCAGGGGGC
>EP74287 (+) Hs NACA; range -499 to 100.

GTACAAAAATTAGCCAGGTGTGGTGGCGGGTGCCCGTAATCCCAGCTACTCTGAAGGCTG
AGGCAGGAGAATCGCTTGAACCCAGAATGCAGAGTTTGAGTGAGCAGAAATCACGACAC
TGCACTCCAGCCTGGGCGAAAGAGTGAAAAATCCGTAAAAAAAATAAAAAAGAAAAGAA
AGAAAATGCGCTACATATACACAATGGAATACTATGCAGCCATTAAAAGGAATGGGATCA
TGTCTTTTGACGGGACATGGATGAAGCTAGAAGCCATCATCCTCAGCAAACTAACACAGG
AACAGAAAACCAACACCACATATTCTCAATCAAAAGTGGGAGTTGAACAATGAGAACAC
ATGGACACAGGAGGGGAACAACACACATCAGGGCCAGTCAGGGGGTGAGGGGCAAGCAAA
GGGAGAACATTAGGACAAATACCTAATTCATACGGGGCTTAAACCTAGATGATTGGCTC
ACTCTCTTTCTGCCACCATCTTGGTTCCCTCGTTCCCTGCACAAAATGCCCTGTGAAGCCA
CAGAAACCGTCCCTGCTACAGAGCAGGAGTTGCCGACGCCGAGGCTGAGACAGGGTCTG
>EP74288 (+) Hs CKN1; range -499 to 100.

GATGCCAGAGTGAAGGGGTGACAGGGGAGAACGAACCTCGGGAATTTCTCCGGTGACA
CCCTAAGTGTGCGATGATGCGTTAGTTGACTAGGGGCTCTCACTTTTCCCTCCTTTACTG
ACCTCGCAATCACTGACCACGCAATCGCTGCCACGCCGCCACCTCACCTCTCCAGTTCT
TGTAAGTGGGGATGTAGTAGTATTTGTTCCCGAATTGGTCCGTGCCACGTGCTCCTTCA
CTTCCCTTGACAGCGATCTCCACAAGGCGCGGAACAAATCCTGAGACCAACCCATGCCGT
CCACCCAGTTTCCAGCGCTGCCAGCAGCGGGACCCGAGTAGGGGTAAATGCTCCAGCCGC
CGACCCAGCCCACCGAGGGCGGAGAAGTCAGGTCGGCCTCCATCCTGGAGCCCTTCTAGTA
ACGGCGCTCACCAATTGGCCGATATATACCGACTGACCAATGGGAGACTCTGCTGTTCC
AGTCCCGCCCTGAGCTCTGTGATGGCGACGTCCAGTGCTCCAGCCGGTGTGAGGACACG
ATATGCTGGGGTTTTTGTCCGCACGCCAAACGGGTTTGGAGGACCTCTTCGCCTTCGGA
>EP74289 (+) Hs SEPP1; range -499 to 100.

ACAGGAGACCAGAGTAACCTTGAACAGCAGGTGACTTTTCTAACAAAGGTCACACTGTGT
GGGCTAAGCTAGCACCTCATCACTGCAAGAAGCAAAACAAAGGAAAAAAGCTTCTCT
CTCTCTTTTTTTTTTTTTTAAAGCAGCAGCATAATTGCTGGCTCAGCAAATGTTTTT
CCCTGTTATAGTTTGGGAAAGAAGGCAACTTGGAGGCCTTGTTTACCTTAGCCCTTCT
CCCGCCCCGACTGTACCAATTAAATCTAGATTCTAGGGTGACTGAAAAGGATAGGGAAT
AAATTAGTAATTGTCAAAATTTTTTCCCATATTATGCATGGCAGCACTTGCTACTTTCT
TTTAAGTTGATAACAATCAGCTCAGGGGTTTGTCTGCTTGCAAGGTCACTGCAAGAATG
AACATTGAACTTTGGAATATACCTGAGGGGTGAGGTAAACAACAGGACTATAAATATCAG
AGTGTGCTGCTGTGGCTTTGTGGAGTGCCAGAGTAAAGCAAAGAGAAAGGAAGCAGGCC
CGTTGGAAGTGGTTGTGTAAGTAGGAATTCGTGTTTTCTGATACTTTATTCTTTTAAAG
>EP74290 (+) Hs ARD1; range -499 to 100.

TCCATCAAGGGAGGTCTTTTCAAAGGTGAGTGGGGGAGAGGGCGGGGCCGAGGGGTTGC
GCCTCTCGGCTGCCCCCGGCCCTCACTACCTGCCCGCCTCTACCCGACAGCTGCTTCCAC
GTCCCGCGGTGCCATAGCCATGTGCGAGGAGATGCTGGGCGCCCTGCTGAGCCGCCCGCC
CCCGCCCCCTCCCCCGCCCCACCCCGCCTGCCGAGGCGCGGAATAAAGGCTGAGTCCG
CTCCACCTGCGGCTGTGCGCGCTGTGTGGCTCGCGGGAGGGGGGCTGTGCGCGCCGAGG
GAGGGGCGGGTCCAGCTCCGGGGCAGCGCCCGCCCCGCCCCAGGCCCGCCCCGCGCTG
ACCGGCTCCGCGCATTGGCCCCGCCCGTGCCTGGCTGCTCCCGCGCATTGGCCAAGCGG
CCGGGAGGACGGGCCCGCGGCGCTGCACTTCCGGCCGGTGCCCGGCCCGGCGCGCACCG
CCCCTTCCGCGCTGCCCCAGCGAGCCAGCTCCGGTCCAGCCCCGGCCGTCCCGGCGTC
GCTTCGGAGCGGCGGCGAGCTGACTGCGCCTTACGATCCGCTGGGACCCGCGAGCCCC

>EP74291 (+) Hs FXD5; range -499 to 100.

CTGGCCCCTCAGTGTCCATGTCTTGAGCTTAATAAATGTGCATTTGGTTTTTCTCTGT
TCTGTCTGTGTGTTCTCATCTGTGGGGCACGGTGTGGGTAGGGGTGCAGAACTGAACCTG
GGGTAGCTCTCCCTGCGTGCCCGAGTCGCCCCCTCTTATTCTCTCCCCAGTGCCC
CGAGATGCCCCCTTCAATCCCTTCTCCTTCTCAACACCTCCGGATTGTCTTTCCCT
TCCTCCAGCGACCCAGAATAGAGCCCTCCCGTTTCTCCCCCTGCTCTCTCAGAGGCGTC
CACTACCCCTAGACCTGCCTGCCCCATCCCCGTTCCACCCCTCTCCACCACTATGCCCT
CACCCCTGCCCCCGTGCCTCAGCGATTCCCCCTCTGCTCCCACCCCGGGCTCTGAA
GCCAGGAAACCAAGAGGAAATGACTGAGCCCGTCTGGGTCCCCGCGCTCGCGCTCCC
CTGGCCACACCTCCGCTGGACGCAGCAGCCACCGCCGCTCCCTCTCTCCACGAGGCT
GCCGGCTTAGGACCCCAAGCTCCGACGTAAGTCCCTCTCGTGCGCCACCTCCATCCGCTG

>EP74292 (+) Hs MRPL13; range -499 to 100.

AAACTCAAACCTCTTCCCCTCTCCACAAGCCGTTCCCGCTCTTTCTCATCCCAGCGCTTA
CCCGGCTGATTCTCAGTACCTCACCCGACGACACCTCTGGCCCATGTTCTGCCTCCCTA
CTGGCCGCGACGGGAATTTCTTCCCCCAGATCACCAGCAGCAGGTACCGATCCATC
TCCTCAGAGATACCCCCCACTTTAGGTCTCGGCTTCCACATCAAACAGACGCGCGCT
ATGACGATTTCCGGTTCCCTTCTGTTTAGTTCGGCTGGAAATTAATGCTCTCCGTCGGTTT
TCCGCAAGTTTTTCCACCAAGCGAGATATTTTGGGAGTTATTCCTAAATAACTGCATTA
TATGCTCCTTTTCATGACGAAATTGCTGCCGTGGAGAAGACTGGAGGAACTCGAGGAAGA
GGGAGAAGCCGACAAGTGCTCGACGGGCTAGGAAGTGTCTGCTTGGGTGTTAGCGTTTC
CCGCCGGGCCAGTAAGGCTGAGTGACCCGGCGTGGCTACTAGGAGAAGGACGTACGGTCC
TGCTAGTAGAGGAATATGTCGAGTTTCTTAGGGCGCCCCAGGTGAGCTCGGACTCTTAT

>EP74293 (+) Hs KRT6A; range -499 to 100.

GACAGGTATATACAGGCCATTGCAGTGTCTGCTTCTTACCTGTTTAAATTTGCACCT
AAAAGGTGAAACAATTATGGGGAATTTGTAATATTTCTGTTAAGGAATTCACAATACAGT
GCCTGTGATCTCAACAGCAAGGCTGGAAGAAAGTCAGACTGGGAAGAGAGGGCACTCA
GGGCATGTCGATAAACAGCCTAGCATGCAGAACCTTTGCTGAAGACAGTGACTAATTCCA
ACTTCATGAATTGAGAATACTCTTATTGTGCTGAGATCTCAAGTCAAAGCTGGAGGCAGG
AACATTTTGCTGACTAAAGGAAGCGAAAAATGCAATCTCGGTATTTTATAACTTTTGTA
ATAATGCAGGTGTGATCTCACTATTTGTAAAGCCAGCCCTTCCCAACCTGCAAGCTCAC
CTTCCAGGACTGGGCCCAGCCCATGCTCTCCATATATAAGCTGCTACTGGAGTCCGATTC
CTCGTCTGCTTCTCTCCCTCTCGCTCCAGCCTCTCACACTCTCTTAAGCCCTCTCAT
CTCCTGGAACCATGGCCAGCATCCACCACCATCAGGAGCCACAGCAGCAGCCGCCGGG

>EP74294 (+) Hs BEX1; range -499 to 100.

ACATAAACTATATATATATATTACTTTCCAGGTTGAAGTGTTTCTTTCAAAAATAAAAT
TTGATTATTTTCAATTTTTTGGGGATGCTGATTTTTAAAAAGGAAATAAAGAGAAATTA
TTAGGAAGCATATACACAGCCAGTGAGAAGAGGAAAGAAAGAAAGGCCAAGGCCAGAGGA
AGGGGGTTTGGGGTGGGGGAAAGGAAGGGTACAGACCCTCCCAATAACCGAAGATGGGT
AAACTCCAACCGCAAAGCGATGATGCCACTTGTGGGCCCTCAGATTGGAGAGGACGGAGA
TGAGTGACGGGGCTGTGCGCACTGGGGCACGCGCACAGACGGGAGGAGGGGGTGTCTG
TGTGTTCCAAAGGGGGGAGTACCAGTTAACTGGCCGCCGCGCCGCTGGGGGTTGGTGAGAA
GGAGGGTGAGCTTGGCGGTGACGCACGGCCCTCACGTGACCGGGAGCTGCAGAGCTACGC
AGCCTTCGGTGCACTGCTCACTCGTGTCTCGCTACCAGCTCCCCGCTGCCCTGCGCTCGG
CGGGCTGGCATCCGGCCCCGGGGAAAGCGGACCAGGTAAGGGCCCCGGGGCCCGCGGCC

>EP74295 (+) Hs CDC2; range -499 to 100.

TTTTCCATTTCTTCTTAAGTCACTGAAATGTGCTCCTTGAGCCAGCCGCAAATCAC
GCATTTAGAAAAACATAACTATACACTCCTAACCTAAGTATTAGAAGTGAAAGTAATGG
AATCTCGATGTAACACAATATCACTTTTTTGTGAGCTATTTTGTAGTATAATAAATTTG
AACTGTGCCAATGTCTGGGAGAAAAATTTAAAAGAAGAACGGAGCGAACAGTAGCTTCCT
GCTCCGCTGACTAGAAACAGTAGGACGACACTCTCCGACTGGAGAGAGCGCTTGCCT
CGCACTCAGTTGGCGCCCGCCTCTGCTTTTTCTCTAGCCGCCCTTCTCTTTCTTTTC
GCGCTCTAGCCACCCGGGAAGGCTGCCAGCGTAGCTGGGCTCTGATTGGCTGCTTTGA
AAGTCTACGGGTACCCGATTGGTGAATCCGGGGCCCTTAGCGCGGTGAGTTGAAACT
GCTCGCACTTGGCTTCAAAGCTGGCTCTTGGAAATTGAGCGGAGAGCGACGCGGTGTTG
TAGCTGCCGTGCGGCCGCCGGAATAATAAGCCGGGTACAGTGGCTGGGGTACGGGTG
>EP74296 (+) Hs RPL30 P1; range -499 to 100.

CAGAGGGGGAAAGAACACCCCGCCGTCATTCTTTTTTCTTCTTTGAGACAGAGTC
TCACTCTGTGCGCCAGGCTGAGTGCACTGGCGGATCATGGCTCACTGCAGCCTCGACCT
ACCGAGCTCAAGCGACCTCTCCGCTCAGCCTCCGGCGTAGCTGGGAGTAGCTAGGACTA
CTGGAGCGCGCCACCACGCCCGGCTAATTTCTTTTTTATTTCTTTTTTATTTTTTGTAG
AGACAGGGGTGGTCTATGTTGTCCAGGCTGGCCTTGAAGTGGACGCAACAGATCTTCCCG
CCTCAACCTCCGAAAGTGCTGGGATTAAAGGTATGAGCAGCCGCTACGGCCCCCGCAGC
CATTCTAGCTAGCGGTACCAATAGCAACCGGCAGTGCCTCCGCTTTTGTCTCCGCCCT
TCTGCTTGCGATCTGTTTCCGCTTCCGTCGCCGAGTCCGGCTCTGCCGTGAAGAGCTT
TGCAATTGTGGGAAGTCTTTCTTTCTCGTTCCCCGGCCATCTTAGCGGCTGCTGTTGGTG

AGTGGGCTCCTACCGACCGAGGTTTAGGCAGCGCGGGGAGCTTTGCGGGTTGCCATTTGT
>EP74297 (+) Hs RPL30 P2+; range -499 to 100.

GTAGCTGGGAGTAGCTAGGACTACTGGAGCGCGCCACCACGCCCCGGCTAATTTCTTTTTT
ATTTCTTTTTTATTTTTTTGTAGAGACAGGGGTGGTCTATGTTGTCCAGGCTGGCCTTGA
GCTGGACGCAACAGATCTTCCCGCTCAACCTCCGAAAGTGCTGGGATTAAAGGTATGAG
CAGCCGCGTACGGCCCCCGCAGCCATTCTAGCTAGCGGTACCAATAGCAACCGGCAGCTG
CCCTCCGCTTTTGTCTCCGCCCTTCTGCTTGCATCTGTTTCCGCTTCCGGTCCCGCAGT
TCCGGCTCTGCCGTGAAGAGCTTTGCATTGTGGGAAGTCTTTCCTTTCTCGTTCCCCGGC
CATCTTAGCGGCTGCTGTTGGTGAGTGGGCTCCTACCGACCGAGGTTTAGGCAGCGCGGG
GAGCTTTGCGGGTTGCCATTTGTAACCTCCGGATCCTAAAATTCCTGTCTGTTCTCTGTC
TCTTCTAGGTTGGGGGCCGTCCCGCTCCTAAGGCAGGAAGATGGTGGCCGCAAGAAGAC
GGTGAGTGAGGCGGGCCAGGCCCCGAAGACGATTACGTGGAGAGATGTCTTGCCAGGG
>EP74298 (+) Hs WBP11; range -499 to 100.

ACTAGGCGCTCATATGGGATAACCTGATGCTTACAAAGCGGATTAACTCAGTGGCAAAT
GTTATCTGGGTATTCGTTTACACACGGAGACCCCTAAAGGATCGCACCTGCTTGCGTC
ATAAGAAACAGAAAAATGCAAAAACTAAGGTAATTCAAAAGACAGAAACGCAGAACGC
TTCTTTATCTGCAGAATGTACCGTTCTCGGACGGCTCAACGTACCAGGCTCCAGCAACT
AAGTCAAGATGCCCTCAACTCGAGAGACAGGACCGTCAGCCACTCAGTTAGCAGCTATCT
TCTTCTAATTCCTATTGTACTAGATGAGCGCAATGAGGCGGGCTCTTAGCCGACAACCAA
CCAATTGAGTATTGTATGGAACCGGAAGAGACTCTGGTCCTGGAATTCTTGGGTATTCTC
TATGGTTCCAGGGTCAAGCGGCGCTAAGAGAAGGCGGGACAGAGGAATGGGAAATGACGT
GAGGAGTGCGGAGGGGCGCGAGGTTTCAAGATGGCGGTAGCTGAGGGGTTGACCGAGAGA
CCCAGTTGAAGGCTTTACGAAGTGAAGAGGCGGGAGTCGCCCCCTACCCGCTTCTCG
>EP74299 (+) Hs SELENBP1; range -499 to 100.

TGGTCAGGGGACGCGGCTCACACCTGTGATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGACACGGGTGG
ATCACCTGAGGTCAGGAGTTTGAGACCAGCTGGCCAACATGGTGAAATCCCTTCTCTAC
TAAAAATACAAAATTGCTGGGCATGGTGGTGGGTGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGG
ATGAGGCAGGAGAATCACTTGAACCCAGGAGGCAGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGCAC
CACTGCACTCCAGCCTGGGCAAGAGTGAGACCCTGTCTCTAAATAAATAAATAAATAAAT
AAAGCACAGGCTCCACACATACACACTTAAACACATACACGCACACCCCATTAATCAAA
CACCAGTTGCCCTAGGCCACTTGAGAGTATCCTGGCCAGCTGCCCTGAGTAGTTTACTCT
GGGCTACAGCCCGGGCCCTCTCCTTCTCTGCCCCACCCCACTGTTGTATAAATTCC
CTCCCTTCGCTCCTTCCCGGAACAGCGGCTCTGACACCAGCACAGCAAACCCGCGGG
ATCAAAGTGTACCAGTCGGCAGCATGGGTAAAGGAGAGGGGTTTCAATCACCCATTGCCT
>EP74300 (+) Hs GABARAPL1; range -499 to 100.

TGTTTATGTTGTGTTTCTAGGAGCGAACTGCGGCACCGCCAAACACTGTGACGCCAGCGC
GGGAGGAGGGCCGCGGGAGGGGAGCGGAACGCGCAGAGGGCACGGTGCAAGCACGGGAC
AGCTCTGCATTGGCCAAAGGGATCCCAGGAGGCTGGCCCTCTTTTCTCTGAGGCTGGA
TCCCAACCAGCAGGAAAAGGCTGGATTTTTCGCTTTTGTATTTGTTTGGGGCCCAACCA
AGAAAAACAGTGGAGGGGGAATAAAACATGTTTAAATCTTTTTTTGTCTTAAACCATC
TTTAATTTACAGTCACAAAAATAAAACATAACTCGAATGTTTTGATGTTTGCAGTGACAT
CGATTGTGAAAAAGGTTAGCCAGAAAGGAAACGCAGTGAGACAGAGCGCTCGGCCACCCC
CTGCCCTGGGCGCTGGCGCATGGGGGGCGGGGCGGGGCTCGCGGGGTGACGTACAGCC
CGACGCGCCACCCAGCTGTTTTTGTGCTCCAGCTCTAGCGAAAAGCCGCGGTATTTCT
CCATCTGGCTCTCTCTACCTCCAGGCAGGCTCACCCGAGATCCCCGCCCCGAACCCCC
>EP74302 (+) Hs TUBB P1; range -499 to 100.

TTTGCCACCCGCTGGAGAGCCCACTGCAATGGGTCTTCAATTTCCGGCCCCCTACTCCA
AAGGGTACTCGACGCCTCTTCCCGTCTTAGGAGGCGAGGACCTGTTCCGAGGCAGCCC
CTCCCCCTGGTTCCGGGGCCCCGGTCCCCAGCCCCCTCGGGGTTCCAGAGTGGGCGGC
TCGGGGTGGGATCGCGGCGTGAGCGGAGACCCAGCGCCAGGGGTGCGCCGTGCCGTG
GATCGGGCAGGGGGCTGCGGCTGGGCCCCAGGCCCCGGGCACCGCACTACCGCCGGACCG
CGAGGCCGGCCGCCACCCCTAGACCCAGCGGCAGCAGCAATAGGGCGAGCGCCCCACAC
CTCGCACCGCGCCCCGCTCCCCCTCGCGGTGCCGAGTCCCAGCCGACCGCCCCGCG
GCCACAGCCCCCGCTCATGACGTACCGGGCAGGGCGGGTCCCCGGGTATAAAGACC
GAGCTGGGGGGGCGGCGGAGGTCTCTGCGCAGCCAGCCCGCGGTCCACGCCGCGCAC
CGCTCCGAGGGCCAGCGCCACCGCTCCGAGCCGGCACCATGCGCGAGATCGTGACAT
>EP74303 (+) Hs TUBB P2+; range -499 to 100.

CTCTTCCCGTCTTAGGAGGCGAGGACCTGTTCCGAGGCAGCCCCCTCCCCCTGGTTCCG
GGGCCCCCGGTCCCCAGCCCCCTCGGGGGTCCAGAGTGGGCGGCTCGGGGTGGGGATCG
CGGCGTGAGCGGAGGACCCAGCGCCAGGGGTGCGCCGTGCCGTGGATCGGGCAGGGGGC
TGCGGCTGGGCCCGAGGCCGGGCACCGCACTCACCGCCGACCGCGAGGCCGGCCGCC
ACCCTAGACCCAGCGGCAGCAGCAATAGGGCGAGCGCCCCACACCTCGCACCGCGCCCC
GGTCCCCCTCGCGGTGCCGAGTCCCAGCCGACCGCCCCCGGGCCACAGCCCCGCC
GTCATGACGTACCGGGCAGGGCGGGTCCCCGGGTATAAAGACCGAGCTGGGGGGGCGG
CGGCAGGTCTCTGCGCAGCCAGCCGCGCGGTCCACGCCGCGCACCGCTCCGAGGGCCAG

CGCCACCCGCTCCGCGACCCGGCACCATGCGCGAGATCGTGACATCCAGGCGGGCCAGTG
CGGCAACCAGATCGGCGCCAAGGTGGGCTACCGCCACGAGGGGCCCGGGTTGGGACC
>EP74304 (+) Hs DAXX; range -499 to 100.

AAGGTTTTACTTCCCTTTTAAAGAGACTTCTGCCCTTCCCTGAAACTCTGCACAGCTTTGG
AAAGCCCAATTCTAATCCACCCTGTTTCGGTTCCCTGCCCTCCTTGAAACGAGGCTC
GGTCTCCCTACGCGCTACTCTCCGGCGGTTGGGCCCCAGGCAGGAAGTTTCTGATTGGC
GGAGTCGTAGAAAGCACCAGGTGAAAAGAGCTCCACTGGCTGCGCACCCGAGTCCGGGCGT
AGCCAGTGCCGTACGGCAAAATGGCGGGCCCCAGCTGCTTTGGGACGCTGGGTTCCGGG
AGACAAACTCCGACCTGGAAGAGACCGTGACTATGTGGGCCGCACTGGAGGTGTTCCGCG
GGGCGGGCCTACTGTACCTCCGGCCACAGGAAGCCTGTGTCCGTACGACAATATGGCG
GCGCTTAGTTGCATGAAGGCGGAAACTCTGTGACTTCCGGTCCGTAGTGGGGCCTGCGGT
GGGAGTGGGAAGGAAGGCGGAGGGAACCATGCGAGGTTCTGAGAATTGCGGCGAGGGTCG
CCTCGAGAGACGGTTTCTGAGGTGGGGGCCGGACGGTGCGGGGATCAGAGGCGGGGGCGG
>EP74305 (+) Hs GPX3; range -499 to 100.

GGACACCCACTCTTTGTTTCTTAAGCACTAAACCTATATATAGTAAATGTTTCTGGAAGT
TTAACTTCAGCTCTTGCTGAAATTTTAAACCCTCAATTTCCAGAGGACCATCGCCAGGTG
TTTTTAAACCTCGATAGGAATAAGAAATGCTTCCAGAATGGAGACTTCCATCAGTTCT
AGGGAGCTATTAGCCCCCTTGCCCTGGCTGTAATGGAGACCGCTGTGTCTGCCTCCTTC
GCACTTTGGAGCCAAAAGAGGAAGGGACCGCTCCACGTCCACAGGGACCTGACTTCCA
CCTCTCTGCCAGATTTGCTTATGTCACTGTCGCCCCGGGACGGGGAGGTGGGGAGCTGA
GGGCAAGTCGCGCCCCGCCCTGAAATCCCAGCCGCTAGCGATTGGCTGCAAGGGTCTCG
GCTTGGCCGCGGATTGGTCACACCCGAGGGCTTGAAAGGTGGCTGGGAGCGCCGGACACC
TCAGACGGACGGTGCCAGGGATCAGGCAGCGGCTCAGGCGACCCTGAGTGTCCCCCAC
CCCGCCATGGCCCGGCTGTGTCAGGCGTCTGCTGCTTTCCCTGCTCCTGGCCGGCTTC
>EP74306 (+) Hs TSFM; range -499 to 100.

ACCTTGAGGGTAGGGCTGTGGTTTACTCCTGTCTAAACCCCTGAAGCCTAACACAGTTC
CTGGCACACAACAGGTGTTCAACAGATATTGTGCTCATTCAATAAATATTTACTCGCTTT
GTTTAATGGATTCCACCCCTGCCTTCTTAGGTGACCTTGGACAAATTTCTGAACCCATTC
ACCAACCACACAAGTTTGTGTGAGTCATAAATGGATAATGAATATAAATGCGCATTGAA
AATAAACATAAAATGTTACCCACATTTCTGTGTTGTTGTTTGTGACGACTTTATTTCT
TGGTTTCTGTTATTTTACCTGGGGTGGGAGGTGGGGGTAATTCCTGATGAAATGTGTC
GTCTCAAGAAATCAAGTAGAGGCGAGGACTGTGTTCTCCGGCCAGCAGGTGGCACCATA
CTCGTTTGGTGCGTTCCGCTGGAGAATTCTGGCCCTCCGCCGCGCCGTAGGTTTGTGTC
CTCACCAGTGCGCCCGCCGAGGGGTGTTTATCGCGGCTAGAGAGATGTGCTGCTGCGGT
CGCTGCGCGTGTCTGCTGCGCGGACCGGGAGCTACCCGGTGAGAACTCTGGTGCTG
>EP74307 (+) Hs CLKFSF7; range -499 to 100.

CAGGAAGGCCACCACGGAACCTTCTGGGGTGATGGGCACGTTCTATTTGTTGATCTGGG
CGACGTTTACACAGGTGTACACATATATAAAAATTAGTGGAGCTGAACACGTAAGGTCTG
GGCATCACACTTTATGTAAGTTAAACTTCAGTAAAGTGCTCTCAGCACACATCCGCAGCC
GCACCCACACAAAATCCCAGGAGGCTCAGTACCAGCTGTGGTCCGGGCCTTGCCACCTC
GGAGAGGCCACGACCCAAGGCATCCGGTTTCTCTCGCTCCAGTCTAACTTCCGCGCATC
TACGAGGGCCGGGACTGCCGTACCTTTCTGGAAGGCGCCGGCCGGCCAGTCACCGGAGG
GATCCCGCCAGAGGCGGCTCCGCGTCTCCAGCAGCGGGGAGGGACCCGGGCGCCCCGCC
CTCGCCAGCGCCCCGCCCGCCCCGCCCGCCCTCTGTATCTGGCCCCCTGGGCAG
CTGCCCGGGAGGCGGCCAGCGAGCTGGGGCCGCGCAATGTGCGACGGAGCCGGGCTCGT
CCGCACCACGTGCAGCAGCGGCAGCGCGCTCGGACCCGGGGCCGGCGCGGCCAGCCAG
>EP74308 (+) Hs RPL36; range -499 to 100.

GGCTAATTTTTGTATTTTATAGTAGAGACGGGTTTACCGTATTAGGCTGGTCTCGAGC
TCCTGACCTCGTGATCCACATGCCTCGACCTCCCAAAGTGCTGAGATTACAGGCGTGAGC
CACCGCGCCCGCCTAATGGGCGTTTTAAACAGTTCATACAGTTTGGTATTATTATCCCG
CTCTACAAGTGAAGAAATCTGAGAGGTGATGTGCTCGATGCAGGGTCGGCCCGAAATAG
GCGGAGTTGGGATTGAACTCATTTACAGGCAGAGGGAGGAGAGCAGCCATAGCCACCT
CCACTGGTTCGACTCCAGTCCCGGGCTCGCAGGAGTAAACGCGCATGCTCAGGGAGCT
CGGTGCGCATGCTCAGCGCAACGGCGGGGAAGACTCCAGCCGCCAGGGGGAGCGCGTGC
CGTTCTTGCTCTCTGGCCTGCGCTCCTGAGCCGAGTAGATATCCCGGAGTTCCGCGCG
GCGCCAGCCCTTCCGCCACGCGCTCTCTGGAGAGCAGCAGGTAAGTGGTTTCCGCACT
GCCGGTATCCGCCGCCATCCGACTCCCGGTCTCTGTGACAGTTGGAGGATGTTTGGT
>EP74309 (+) Hs RPS15A; range -499 to 100.

TAATCCCAGCACTTTCCGAGGCCGAGGCGGGCGGATCGCAAGGTGAGGAGATCAAGAACA
TCTTCGCCAACTTGGGGAAACCTCGTCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCCGGGCGTGG
TGGCGCATCTCTGTAGTTCAGCTACTCAGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCACTTGAACCC
GGGAGGCGCAGGTTGCAGTGAGCCGAGATCACGCCACTGCACTCCAGTCTGGGCTACAAG
AGCGAAACTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAATGTAGACGAACCTCCAACGAACGGCTCACC
TTGCCTCTCCAGGCCCCACCGGGGAGGTGATTCCATCGACTCTCAACTGCCAACCCC
TGAGGAGGCTCCGCCTTCCCTCACCTCGTCTTCTCTAGGCGGTCCTTGTGTTTTGCC

GGGCGCTTTGAAAGTCTCGCGATAGCTCTCCCGCTTCCATAACTCCGTGCGCTCTCCCT
CCCGTCTCTTTCCGCCATCTTTCCGCGCGGTGAGTAGCACTCTCTGAGAGCTCCAATT
TCATCCGTCTGCCATCGGCGCCATCCTGCAATCTAAGGTTTCGGTCTCGGTGTCTGCGAG
>EP74310 (+) Hs RAD51; range -499 to 100.
GCGCTAGGGCCCCGCTAATAGTCCAGCTGCGATGGTGAGAACTCGCGGACCCGCCGGCG
ATGCATGCCGGGAGATGTAGTCCCGGGCCGACGATTACCTCTTGGGAGTCGTGGTCTTC
GATCTGGTAAACAGAAGACGGCAACTCGGTTAAGTCTTCCCCACCGCCCCCTGAAATCC
CTCGCCCCACCGCGAGGGGACTGGGGTAGGAGTAGGGGCGTTGCCGTGGTTAGCCTCGAA
CTCCTAGGCTCAGACGATACTCTCGCTCGGCCTCCCGAGCAGCTGGGACTACACGCGTG
AGCCACCGCCCCCGGCATAAAGTTTGAATTAGTCCTTACGCAAAAAGGGAAGAGGGCAGT
CTGTAAACTCGCGCAGGATCAAGCTCTCGAGCTCCCGTCTTGGGTTAGCGCGCAGGGCGG
AAGCGGGGAGAAAGGCGGATCCGGGAGGCGGGGATACGTTACGTCGACGCGGGCGTGACCC
TGGGCGAGAGGGTTTGGCGGGAATCTGAAAGCCGCTGGCGGACCGCGCGCAGCGGCCAG
AGACCGAGCCCTAAGGAGAGTGCGGCGCTTCCCGAGGCGTGCGAGCTGGGAAGTGAACCT
>EP74311 (+) Hs PSMA3; range -499 to 100.
TCAAAGACGATACCCCTTTAAGTGAACCTTACGAGAGCCTGAGCACAAGGAGGTGAAGTG
GATGCCATCAAGATTCTGGGTTCAGGGTCCGGACGCGGAGGAAGAGGTTACTTCGCGCC
TACTGCTTTTTCTACTTTTTGTGAGAGTATACCAGCATCTCTCCCTTTGGCTTAAAGAAA
GAATAAAGTGAGGAGAGAATAATAATATAAAAGATAAATAATAATTCCAAGGAAAGGAAT
AGAGCAGCTTCTCAGATACCACGACGCCAAGCGGCTCAAAGTACGCGAACCGAAGGAGGA
GCCTTTGCTTTCCCAACCCCGCTCCATTGCTTCTGCACATGCGCGCCGCGCAGCCTCTC
GCGGCCCCGCTTTTTTCCACAATACTCCTCGTCTGGGGGCCGGAGCCGCGGAACGAGCC
ACAGAGAAAAAGGTTATTGGTTGGCAGTTCAGCCAATGAGCGGGCCTGTTACTAGTTTGC
GGCATCCTGTGGTATAGGGGAAGCGCTCCGGGCGCTGGAATCCCTACGCGTCCCTTTGGGT
TTAGCACGATGAGCTCAATCGGCACTGGGGTGAGTTCGCTGTCTGTGCGGTGAATAGTTT
>EP74312 (+) Hs MRPL10; range -499 to 100.
ACCCACCGTCCCACCTCCCTACTCACCTCCAGACATGATCTAAAATAAAAGGCTGCTGGT
CTGAGGCGGGAGAGGAACGAAAAGAGAGGTCTTGGCGGCCCTAAGGATGGCAGAACTCA
GGATGGCAGGAGGAGAGAGAACTCAGAGACTTAGGAGAGGAGGAAAGGGGGTTGATTCA
GAGAAAATTGCTGGGGTGAGGTGCAAGAAAACAGTAAATTGATGTGAAGGGTCTGGAGTT
TGAGGGGTGTGGAGGGGCTTTGCTGGCAGCAAGCTGGGGTGTGTGGGCAGGAATGGTTG
AGAAAGGAGCAGTTCCTAGGAAGCCGGAGTCGTTGCTAAGAGACTGGACGCCGAGTGGGG
AGGTAAAGGCGGGCTCCGTTGGCCCCGGCTAGCGCATGCGTCTTACGGCTACAGCCGGCG
GGTACGCCCACTGCTTCCGGCCCCGGGGTTCGCTACCCACAATCCTTAGCTCTTTCCGT
CTCCACTCGGCTTCCGTCCATTCTTCCGGTGGAGATGGCTGCGGCCGTGGCGGGGATGCT
GCGAGGGGCTCTCTGCCCCAGGCGGGTAAGGAGTGGCCAGGTCTCACGGCGTGTCTT
>EP74313 (+) Hs CSH1; range -499 to 100.
CCCCTTTTCCCAACACACATTCTGTCTGGTGGGTGGAAGTTAAACACGCGGGGAGGAG
GAAAGGAATAGGATAGAGAGTGAATGGGGTCGGTAGGGGTCTCAAGGACTGGCTATCCT
GACAGCCTTCCCGCATTAGGTTGACCAACATGGCCTGCGGCCAGAGGGCACCCACCTG
ACCCTTAAAGAGAGGACAAGTTGGGTGGAGTCTGTGGCTGACACTCTGTGCACAATCCTT
ACAACACTGGTGATGGTGAGAAGGGAAAGACGACAAGCCAGGGGGCATGATCCAGCATG
TGTGGGAGGAGCTTCCAAATTATCCATTAGCACAAGCCCGTCAGTGGCCCCATGCATAAA
TGTACACAGAAACAGGTGGGGTCAAGCAGGGAGAGAGAACTGGCCAGGGTATAAAAAGGG
CCCACAAGAGACCGGCTCTAGGATCCCAAGGCCCAACTCCCCGAACCACTCAGGGTCTTG
TGGACAGCTCACCTAGCGGCAATGGCTGCAGGTAAGCGCCCCATAAATCCCTTTGGGCAC
AACGTGTCTGAGGGGAGAGGCAGCGCCCTGTAGATGGGACGGGGGCACTAACCTCAGG
>EP74314 (+) Hs YWHAH; range -499 to 100.
GCGGGCGGGACGCTGGGGCGGGGCTGGGCGGACCCGCCCTCGGGGCACGCGGTCTCCC
GGCTTCTCCGCGAGTATGTTTGTCTGCTTTTGGGGCCCTTCTCAAGCCAGATCTCTAACG
TGGATGGAGTGCGCGTTTTAGGGTGGGGCTATGACAATGCACTGCATGTGCAGCCGCCA
TCACCGCGCCCCCTCCACCGCTCCGCACTCTCTGCCCGGCTTCCCTTCTCCACCTCC
ATCTCTGCGGCGGTAAATGCAGCACTCGCAGAGCGCTGCGCGGCTTTCAGGCCGGGCG
GCGGCGGGCGGGTGGCTATTTATAGTAGGTGACGTACCTTGAAATAGACCGTTAGGGC
CGGCCCCGCTTCCCCCTCCCACTCCCGCGCTCCCGCGCGCCGGCCTGGCCACTCTC
ACTGCGCAGGCGTCGTCCCGTCTCCATCCCCAGCGCGGCGCGTCTCCTCCCTCGGC
GTTGTCCGCGGCGGAGCCACAGCGCGGGGCGAGCCAGCGAGAGGGCGCGAGCGGCGG
CGCTGCCTGCAGCTGCAGCTGCAGCCTCCGGCCGGCCGGCGAGCCAGTGCAGCGTGCAG
>EP74315 (+) Hs RPL29; range -499 to 100.
GTGTCCCAAGTCCAGTACTCTTTCTTGTCCACTCTCTGCATTCCCACTGTCTCCCTC
AGGTCCAGGCAGCCCTCTCTCTTCTCCCTCTGCTCTTCTCCACGAAAGAGTCAAGC
GTGCTTTTCTTTTTTTTTTTTGTAGACAGAGTCTCGCCCTGTAGCCAGGCTGGAGTGCAA
TGGTGCAGTCTTGGCTCACTGCAACCTCCACCTCCAGATTCAAGCAATTCTCTGCCTC
AGCCTCCAGAGTAGCTGGGATTACAGGCACGTGCCACCACGCCCCGTGAATTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTGGATTTTTAGTAGAGATGGGGTTTACCATGTTGTCCAGGCT

GGTCTGGAACCTCTGACCTCGTGATCCGCCACCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTAC
AGGGGTGCTTTTAAAGAACACAGATCGGCCAGGTGCGGTGGCTCACGCCGTGAATCCCAGC
ACTTTGGGGACAGAGGCGAGCGGATCGCGAGGTCAGGAGTTTCAGACCAGCCTGGCCAA
CATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATGTAAAAATTAGCCGGGCGTGGTGGTGGGCGC
>EP74316 (+) Hs RPL21; range -499 to 100.

TCGTAGTAAATAATCAGAAATGTGAAGTGGCTTGAGATTTCTGATAGTTAAATAGATGAT
GTTTGAGATACACCATCACGAAAAATTTGGTTGACAAGAAAGGTTTAATTCACATAAAAA
TGTAAGGCTGTTTTATTGTGTCTCCACTAAATTATCTTCTAGTTAGTAATTACATGCCC
TTGGCATTCTAAATTGGGTTCTACAGATAGAGTGTGGTAGAAGTCCTGTTGTGTTTTAT
ATTCTCATAGAGAAAGGGTACTAGTTTGGATTCTCGTATCAAGTTCTGCTCCTTAAGAGT
TTTGATGTTATAGAAGTTGGGCGATTTTGCCAAAAGACCTTACTTGCTAAAAATAATGATT
TTTTAACCTTTCAACAGAACTAACTGCTTGGTGATCCAGCTTTTCAGTTTGAGTTCTCAC
TTCGCTACTGAAATGTGAACATTTGAAATTACAGGGGTTTGGGGCAAATGCCAGTTTTC
GTCGTATTTGACTGTTCTGCTTTCTGGTTTCAGTAATTCGCCAAAATGACGAACACAAAAG
GGAAAGAGGAGAGGCACCCGATATATGTTCTCTAGGCCTTTAGAAAACATGGTAAGTAG
>EP74317 (+) Hs RPLP0 P1; range -499 to 100.

CCGGAGGCTGAGGAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAGGCGGAGCTTGAGTCAGCCGAG
ATGGCGCCACTGCGCTCCAGCTTGGGCGACAGAGCGACACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAGAGAAACCATTTCTGTTTCTAAGCATGTGCAATTATGTCTCAGCTCCACGTCATAC
CTTTTAGTTTGCTGAGCTCGCCAGGTGGCACAGGGAACCGGGACTCCGAATTCGAGCTC
CAGCTCCAGCTCCAGCCCAGCAGGTGGCAGCAGCTCAGAGCAAGCTCCTCCAACGCGAGG
CAGCGCTTCTTTCGCGACCTACTTAAAGGCGGCTTTCCGTTGGCTGGAGTGGCAGCGA
TATTATCCAATGGTTGCCTGTATTCTGTTTCAGCTTTGTCTGACGGGCGATGGCGCAGCCAA
TAGACAGGAGCGCTATCCGCGGTTTCTGATTGGCTACTTTGTTTCGATTATAAAAGGCAC
GCGCGGGCGCGAGGCCCTTCTCTCGCCAGGCGTCTCGTGGAAGGTTCTGTGTCTAGTTA
GATGGGCGCCAGGGGTCGCGGCGGGAAGCATGGAGGGGCTTTGGGGGCTTTGGGAAC
>EP74318 (+) Hs RPLP0 P2+; range -499 to 100.

CTCCTCCAACGCGAGGCGAGCGCTTCTTTCGCGACCTACTTAAAGGCGGCTTTCCGTTG
GCTGGAGTGGCAGCGATATTATCCAATGGTTGCCTGTATTCTGTTTCAGCTTTGTCTGACGG
GCGATGGCGCAGCCAATAGACAGGAGCGCTATCCGCGGTTTCTGATTGGCTACTTTGTTT
GCATTATAAAAGGCACGCGCGGGCGCGAGGCCCTTCTCTGCCAGGCGTCTCTGTTGGAAG
GTTCTGTGTAGTTAGATGGGCGCCAGGGGTCGCCGCGGGAAGCATGGAGGGGCTTT
GGGGGCTTTTGGGAACATGGAGTCTTATTCTGTTCCGCTGGGGCTCGGTGGCGGCTTG
CAGCCCCGAGATGACGGCCGCTGCTTCTAGGCAAGGCGCGGGCGATTGCGCGTGTCTT
GCTCTCTTAGGCCCCGGGACCGCGGGATGGGTGTGCGCGTGACCAGGCCTGAGCTCCCTG
TCTCTCTCAGTGACATCGTCTTTAAACCCTGCGTGGCAATCCCTGACGCACCGCCGTGA
TGCCCAGGGAAGACAGGGCGACCTGGAAGTCCAACCTACTTCTTAAGATCATCGTAAGTG
>EP74319 (+) Hs TM4SF1 P1; range -499 to 100.

TCCATCCTGCAGAGCTTGCTGTAGGCAGAGTAAAGAAGTTTGCTCTGTAGTTTTCCCAAC
AGCCTTCTCAAATCCATGGGAGACGTCTCAGACACCTTGATTTAATAGACAAGGAAATG
AGCTCAGGAGATTTGCCCCAGGTTGTAAATTAATCAGCACAAAGGTAGAAATGAACACA
GAGCTCTCAGATTGGAAGCTGTCCAGACAGCTGCATGGAGCAGGGGCACAGCTCACTGTC
TTTCAAAGCCTCAACCAGGGCTGTTGCATCTCGGACACTTGGCAGTTACTGGAAGTCAT
GTTAGGCTTTCTGTTGATTCTTTATCTTGTGGAGGAGTTGCACAGTCAATGCCTTGTTT
AAGATTAATCATTTTCCCTGTTGCCTATGACTGAGGCTGTTTCTCACATCCTGCCCTGG
TTTTGCCTGTCCCAAGGATTTCTGCTGAAGGGCGGGACATTTCCCTGCTCTTCGCACC
ACAGCCAGAGCTGCCATTAGGACCAATGAAAGCAAAGTACCTCATCCCTCAGTGACTA
AGAATCGCAGTATTTAAGAGGTAGCAGGAATGGGCTGAGAGTGGTGTGTTTCTCTCCAC
>EP74320 (+) Hs TM4SF1 P2+; range -499 to 100.

AGACGTCTCAGACACCTTGATTTAATAGACAAGGAAATGAGCTCAGGAGATTTGCCCA
GGTTGTAAATTAATCAGCACAAAGGTAGAAATGAACACAGAGCTCTCAGATTGGAAGCT
GTCCAGACAGCTGCATGGAGCAGGGGCACAGCTCACTGTCTTTCAAAGCCTCAACCAGGG
CTGTTGCATCTCGGACACTTGGCAGTTACTGGAAGTCATGTTAGGCTTTCTGTTGATT
CTTTATCTTGTGGAGGAGTTGCACAGTCAATGCCTTGTTCAAGATTAATCATTTTCCCTG
TTGCCTATGACTGAGGCTGTTTCTCACATCCTGCCCTGGTTTTGCCTGTCCCAAGGATT
TCGTCTGAAGGGCGGGACATTTCCCTGCTCTTCGCACCAGCCAGAGCCTGCCATTA
GGACCAATGAAAGCAAAGTACCTCATCCCTCAGTGACTAAGAATCGCAGTATTTAAGAG
GTAGCAGGAATGGGCTGAGAGTGGTGTGTTTCTCCACCAGAAGGGGCACATTTTCATC
TAATTTGGGGTATCACTGAGCTGAAGACAAAGAGAAGGGGGAGAAAACCTAGCAGACCAC
>EP74321 (+) Hs POLR2K; range -499 to 100.

GACAGTAGCCTATCAGAGAAGGGGCCAGAAAGCAAAAACAAAATCAAGAGAAAGGTAGGA
GGCAGCTGCCCCACTGCCCCAGTACAGATATCAAACAATTTTTAAAAACAATCTGAAAA
GTGTTTTTCTACGTGAAAATCATTGGTGTAGTCGATTCTTCTATGTTTCGTCAGTAACG
GCTATCCTAGTACTTCTCGGACACTGTCATCTCGTTTTTCTTCTAACCTCTACCTTC
TGAAAAAGTGTTACTTTGTACCACTACATTAGTCAGAAACACACACCGCTTGTACTTGC

ATAACTGTTAAATGCTCTGCTTTCTGCAAAATTAATAGCTGGGGACAGGCACTTA
AACCCGTAGAATCTAATAGACAGAAAGCCCTGCTTTACGCTTTGCGCCATCCGGGTT
GTCTGGCCACGCTGGGGCGGAAGGGGCGGGAGTAAGAGAGAGAGAAAGAGAGACAGCA
CTGTGCGTCATGTACCAGCGCCGGAAGTTGGTCTCGACACCTGGACTAGCCGGGTTGTAT
TTGGAAACGCGGAGTGAGTTTTTCCGTGCTGTGTAGGTAAGCGAATTGGCGGGTTGGGGT
>EP74322 (+) Hs CYB561; range -499 to 100.

CCTCTGCCTCAGGACGATGGGTGGGAAGGGGCTTGCGGGTAGGAGAGCGAGCGCTGCTTC
CAGCGGGAGCCTCGGGGAGGGTGGCGGGGCCGCTGGGAGGAGCCGCGCCGATCTCA
GGCGCAGTCTCTAGGGGCTGTGCGCATCCGTGGGGGGGACATGCGCATCTCAGGGGGGCT
GCTCGCATCTGGGGGTGCTGTGTGCATCTCGGGGGGGCTGTGCCATCTAGCGGGGTGGC
TGTGCGCATCTGGAGGGGGCTGTGCGCAACCCGGGGGGGGTGTGCGCGCATCTAGCAGG
GGCGGCTGTGCGCATTTGGGGGGGGCTGTGCATATCTGGGGGGACCGTGCTTATCTCCG
GGGGCGGCTGTGCGCATCTTGAGGGGTGTGTACATCTCGGGGGGCTGTGCGCATCTTG
GGGGCTGTGTGCATCCGCGGGGGCTGTGCGCATCTCGGGGTGCTGTGCGCTGCTCCTCTG
AGCTCTGCTCTTTCTTGACGCTTTGCCTCAGCATGGAGGGCGGGGCCGCGGCAGCCACC
CCCACAGCACTGCCTTACTACGTGGCCTTCTCCAGCTGCTGGGCTGACCTTGGTGCC
>EP74324 (+) Hs GNG5; range -499 to 100.

CGCTGTACGGGGCGGGGTGTGCGGGTGACTCACGCCGGGTGCACAGTAGCTCCTACGC
CTACCCAGTATCTCCCTCACTTCCCTCAACCTTCCACAACTGGGAGGAAACTGA
GACCTCTGGTCACCCGCGCGGGGCTTTTAGAACTCCACAAAGCTCTGCCTTCCCTC
CCTGGTCTCTTTCAGACCCCTCTTAGTTCTTTCGCGCTAACGGTAAGCTCTCTCCTTAC
CTCTCCCTAATCGGCCCTCTGGAGAGGAAAGAAACTTAAGAGTCGGGTCGCGTAGC
CTCCAGCAGCCGCCGCGCCACCGACTGCTCCGCCCTTCTCTCCCCCTCTCCAGGCT
CGCGCTCGGGGCCGGGTGTGGAGCTGGAACAGAGGGCTGGCAAGGCGCGCATGCGCACCG
AGGGTGGAGCCGCTGAGCACAGAACCGGAACTTAGAGACAAAGTTGGAGCCCCGCCCC
CGCCGCGCGCCGCTGAGTTGTCTGGCCCCGCCGACCCACGCCCCACGACCACCGACCCA
CGAATCGGCCCGGCGTGCCTGTCACCATGTCTGGCTCCTCCAGCGTCCCGCTATGAAG
>EP74325 (+) Hs DUT; range -499 to 100.

CTGTCCAGCGCTGGCCGCCTGAGCCAAGGCTGCCGCGGAGCCAGTACAGTCGGGGCCGCT
GGCTGGAAGGGCGAGCTTCTTAAGGCGGGGGGAAGCCCGCGCGCGGGGCCGGGTAGGAAA
GGCGGGGAGGGGCTCCGGCCGTCTGGAAGGAATCCACGCGCTTGAGGCTGTGGGGGAA
GTAGGGTGGCGAGCGGTCTTCTGCGCGCGGGGGCGGGGGGGTGGGTGGTCCATTAG
GGTCCCCCTGGCGAGGGGGCGGCTTTCTAGTGTGTGAGGGCGACGCCCTAGAAGCTCCCC
TCAAAGTTGGCCCCACGCGCTGAATGTGGAAGTTGACTGGGACCCAGTAGTTTCCCATC
CCAAACCTGCTTTCCGAGAAGGGCTTCAAACCCAAATGTGAATCCCGCCTCCCCTCTCA
GCCAGAACTGTGGACTCGTCCCGGGGAGGGGCGGTGGGTGGGGCGGGGCTGGCGGAAAT
TTCGGTTTTGGCGCGCTCCCTGCGGCGACGCTCATCGTGCCTCTCTCTTCCCCCGGTG
GTCTCCTCGCTCGCTTCTGGCTCTGCCATGCCCTGCTCTGAAGAGACACCCGCCATTT
>EP74326 (+) Hs FBX022; range -499 to 100.

AATTTATTTTCACTGCAGGAGCCTCTAGAAAGTTGCCAGGAGCGGTGGCTTATGTCTG
TAATTCAGCACCTTGGGAGGCCAGGCGGGAGTATCGTTGAGCCCTGGAGTTTCAGAC
CAGCCTGGAAACCCGTCTCTACAAAAAATACAAAAATTAGCTGGGCGTGGTGGCGGGAGC
TTGTAGTTAAAGCTACGAGGGAGGCTGAGGCGGGAGGATCGCTTAGCCTGGGAGGTAGA
AGCTGCAGTGAGCAGAGGCCGCGCCACTCCACTCCCGCCTGGCCACAGCATTAGACCCAA
TCTCAAAATGAAGAAAACAGTTCGAGCGTATTACGGAACGGAGTACACCTCGAGTAC
GGGCTCCAGACGAGGGAACGCACCGGCGTTGCCACGCCACCTTCCCCGTCCAGCCGAA
GTGGCGCGGACGCTGCTCAGTGCGCGCGGCGCGGCAACCTATGCTGGCGTAATCGGG
TTCCTCCGAGCCGCGTAGGACTGGTTCCGGCGGGCTGGTGAGGAATGGAGCCGGTAGGC
TGCTGCGGCGAGTGCCGCGGCTCCTCCGTAGACCCGCGGAGCACCTTCGTGTTGAGTAAC
>EP74327 (+) Hs MAGEA3; range -499 to 100.

CAGAATCCAGCTCAGCCCCTTTGTACGCCCTGGTAAACGCAGGCAGTGATGTACCCAG
ACCACACCCCTTCCCCAATGCCACTTCAGGGGGAAGTACAGAGTTCAGAGACTTGGTCTGAG
GGGAGCAGAAGCAATCTGCAGAGGATGGCGGTCCAGGCTCAGCCAGGCATCAACTTCAGG
ACCCTGAGGGATGACCGAAGGCCCGCCACCCCACTCCCCGACCCACCCAGG
ATCTACAGCCTCAGGACCCCGTCCCAATCCTTACCCCTTGCCCCATCACCATCTTCATG
CTTACCTCCACCCCATCCGATCCCCATCCAGGCAGAATCCAGTTCACCCCTGCCCGGA
ACCCAGGGTAGTACCGTTGCCAGGATGTGACGCCACTGACTTGCGCATTGGAGGTGAGAA
GACCGCGAGATTCTCGCCCTGAGCAACGAGCGACGGCTGACGTGCGCGAGGGAAGCCG
GCCAGGCTCGGTGAGGAGGCAAGGTAAGACGCTGAGGGAGGACTGAGGCGGGCCTCACC
TCAGACAGAGGGCTCAAATAATCCAGTGCTGCCTCTGTGCGGGGCTGGGCCACCCCG
>EP74328 (+) Hs UQCRFS1; range -499 to 100.

ATTAGCATTATCGAGCTTTGCACAGATGCCTCTGGCCTTTTGTGTTGTTGTTGTTAGA
TGAAGATAATAAAAATCATCATAGTAAACATAGCGATTACTATGTGCTGGACTTCGTC
GTAGTTGAGATATATTACCATCTAAGTTAAACTATAATCGTTTATTGTTATCTCTAGGT
CTTCCTAGATGAAATTTTACCCTAAAGGATCGTAAAGTCGGCCACCCGACGTCAGTGG

GGTCCCCTGTTTCAGCCCTCTCGTTCTTCTGGGGATCTCTCGGGACACTGACGAGGTGGCA
CCGGGACCTACAGGTGGGCCGCAAGCCCCCCCCAGCGACGGCTTGTAGCCCCGTCCCC
CGACGCAGCGCCTCTCCAAGTTTGGCCCGCCTGCAGGACTGCAGAATTTCTTTCCGGC
GGCGCGCTGTCTCAGCGTCCCGCGCCTCCTCGCGCTGCGCCGTGGTTGGAAGGTCGT
CCCTGTGACCGGCTTGGCGGTTGGAGCGGTGTGCGCATGTTGTGGTAGCATCCCGCTC
AGGCCCCGTTGCGCCCCGTCTGTGCGCCACGTCCCGCGGGGTGGCGGGCGCGCTGCGGCC
>EP74329 (+) Hs GLTSCR2; range -499 to 100.

ACAAAAAATAAAAAATAAAAAATTAGCCAGGTGCGGATGCACCCTTCTGTGGTCGCAGCTA
CTCGGGAGGCTGAGGTAGGAGAATCCCTGAGCTTAGGAGTTGGAGGCTGCAGTGAGCCAT
TACCCCTTCCACTGCACTCCAGCCTGGGGGCAACAAAGTGAGACCTTATCTATTAAAGAAA
AAAATCAGTTTGAGCAAAGACCCAGGCGGCCGGAAAGGTGTTTCGCTTAAGGGCGAAAG
CTAAGAACCTGCAACCTTCCCGTCTCTTTCTACCACCCGCCGCGTTAGGAATCTTCAG
ATCCCGCTGTAAAGAATGGAGGAAGGAGGAGCCATTTATCCTTTACCAAGATGGCAGCCT
CCTGGCAACTCCAGTCACTTTATAAATATGGCTGCCACAGGAAGTACGTACGGAAGAGG
GTGGGAAATCTGCGCGCGCACGTGCAAAGGGGCTTTTTGGGACGCCAGTGGCTGAGTTC
TTCCTTTGACAAGATGGCGGCAGGAGGCAGTGGCGTTGGTGGAAGCGCAGCTCGAAAAG
CGATGCCGATTCTGGTTTCTGGGGCTGCGGCCCACTTCGGTGAGCCAGCGCTGAGGCG
>EP74330 (+) Hs KDELR2; range -499 to 100.

TAAAAATAGCTGGTACTACAGGCACCCACCATCAGGCCTGGCTAATTTTTTAAAAATTTT
TGTAAGAGACGGGGGTGGAGGAATCTCATTAGGTTGCCAGGCTGGTCTCGAACTCCTA
GGCTCAAAGGATCCTCTGTTTCGGCCTCTCAAAGTCTAGAAATTTAGGCATGAGCCAC
CGCACCCGGCCTTCTCTTACACTTTTTCATACAATAGGCCTGTAGAGCTCTTTTGATATG
TGGGAGGAAAGAAAAGATCCCCAGGGAGTGTTATTTCAAAAAGTAAAGGAACTGCTGG
CACCCGAGGAGAAGCCGGAACCCGGCAGGAAAATTTGGCAGAGTCCGGGGTCTTCTTG
CAAGGGAGTCCCTGCGAGCTGACCTGCTGAGCCTGCGCTGGGGCGCGCCCCCTTTAAGGG
GCGGGGCTGGCCCCGCTCTCCAGGGTGCCCCGCGCGCGCGCGCCGCGCAGTTTCGGCC
ACGTCCCTGGCCACGTGCGGGCGATCTCGCCATCTTCGCGCTTCTCTCAGGGGCCGC
CGCCTCTGAGCCGCCAGCCCCGGGGCGCCGCGCTGCGCCGACCGCCACCGCCGCCGC
>EP74331 (+) Hs MFE8; range -499 to 100.

GATAGGTGTTACCAAATAGCCCTCTAGGGAAGTTGAACATAATTTATACTGTCTTCAGCGA
AGCATGCTTGGACCTGTTCCCCACAGCCTCCACTAACCTTGTTAACATCTTGATACTTGC
CGATCCGAGAAGGGAAACAGATGCTCATTGTAGTTTTAATTTGCATCTATCTGATTATG
AATAAAGATTAGCATCTTTTCAAGCTCTAAAAATCTTAAAAACAAAACCTCTGAATTTT
CCCGCCCAACAGACTCAAGACTCGTGACCCGCGCTTGGCACGACGCGGGACGCCGGTGT
GGCAGTGCGGGAAGAGGCAGATATCGCGGACCACCCCGCGCCCCCAATTCTTTCAAC
CAATTCCTCCAGCCGCGGAGCCCCGCCCCAGTCCGCCTCTGGCCAGCTTGGGCGGAG
CGCACGGCCAGTGGGAGGTGCTGAGCCGCTGATTTATTCGGTCCCAGAGGAGAAGGCG
CCAGAACCCCGCGGGGTCTGAGCAGCCAGCGTGCCATTCCAGCGCCGCGTCCCCGCA
GCATGCCGCGCCCCGCTGCTGGCCGCGCTGTGCGGCGCGCTGCTCTGCGCCCCAGCC
>EP74332 (+) Hs APOA1BP; range -499 to 100.

AATGTAGTGTAGAGGGGGCTAAGTTACATAGGCTTGGTGGTGTAAATAAGAACAGTAGC
TTAATTTCTATACCACGCCCTCTGCGACGTTTGCAGGCATTAGCACCTATGGAAGTATG
TACTCGTTTCCCTGTTGTATAGGCGAAAACTGACACCAGCAGTTCCACATTCACTCAG
CCACTAAGCAGTGGGGCAGGAATCAAGGCTAACTGCTATGCCATCCATACACCTTTCTGA
AAGAGTTACAAAATCAGCACTTATTATCAAAGGGCGGTTGGGAGCAAGGCATTTTCGGCGT
ATCTGGAAATGTGTGGCGATCTGTAAACGCTCCTGAGGAGAGCTGGAATCCCAAGTGGA
GGGAAGCTGGACCGGTGGGAATGCTCCCCAGCCCAAGGGCTGCTAGAACCCCAAGACT
CCAGCCCCGAGCGGCTTCCGGAATCCGCGCGTGTGGCCGCGCTCTTCGGGGCGGGGC
GAGCGCCGCACATGCGCCGGGGCCGGGCGGGGCGCGCGCTCTGCGAGCTGGAT
GTCCAGGCTGCGGGCGCTGCTGGGCTCGGGCTGCTGGTTGCGGGCTCGCGGTGCCGCG
>EP74333 (+) Hs COX8; range -499 to 100.

AGACTGGTGTCAAACCTCTGACCTCAGATGATCTACCCGCCCCGGCCTCCCAAAGTGCTG
GGATTAGAGGCGTGAGCCAACGCGCCAGCCGTAATTTTTTTTTTTAGTACAGACGGC
CTCCCAAAAGTTCTGAGATTACGGGCGTGAGCCACCACGCCAGCCTGAATAGAGAGAGA
TTTAACAGTATGAATGAAGGGAGGAGTCAAGAACAGTTTAGGCTTCTCGCGTACATGATT
GGGTGGCCCCAGATGTCATTACAAGTATAAGCCTTGGAGGCGGAACATAACTCGAAGAA
GAGCCCTTTTGTCTCCGCCATAGCGTAGGAAGGTGTCAATTGGCTGTTTCGAGGAACG
CGCAAAAACCTGCAAGGGCTGTGGGAGGTGTGTTCTTTCGCTCATTTCGAGAGACTTCC
GCGCCGAGTTTCCCTGCTTCCCCAGCTCCAGAACTCCGGCCAGCGCAGCCATTTTGGC
TTCCTGACCTTGGGCTACGGCTGACCGTTTTTGTGGTGTACTCCGTGCCATCATGTCCG
TCCTGACGCGCTGCTGCTGCGGGGCTTGACAGGCTCGGCCGCGGCTCCAGTGCCGC
>EP74334 (+) Hs SIRT2 P1; range -499 to 100.

ACCCAGGTCTCCGGGGGCGGCTGCGTCCGGACCCAGGGAGCCAGGCCGCTGTGCGACC
ATTCATCTGCGTCGGCAGCTTTTCCCAAGCACGCGACCCAGCCATGGCCCCCGCGCCT
CAGGGGCCCCCGCAGTCGCCCCGCTGTAGCTGGGCTTTGCCGGGAGTTCTGGAGCTTCC

GCCCTGCGGGAAATTTCCCAACACGCCCCCTGATTACCCAATGATAATATGCTGAATCG
CTCACACCCCGCCTCGTACTGCATCCTGACCAATCAGAGTATTTCGGGAGGACTACAAC
CTCTAGCCGTTCCACATTTTCCGGGCGCCTTTACCAACATGGCTGCTGACGCCACGCC
TTCTGGGACTCGTAGTCCGGTCTCGCGCGCTTTCTTACCTAACTGGGCGCTCTGGGTG
TTGTACGAAAGCGCTCTGCGGCCGCAATGTCTGCTGAGAGTTGTAGTTCTGTGCCCTAT
CACGGCCACTCCCATTTCTGGTGCCGTACGGGACAGAGCAGTCGGTGACAGGACAGAGC
AGTCGGTGACGGGACACAGTGGTTGGTGACGGGACAGAGCGGTGACAGCCTCAAGG
>EP74335 (+) Hs SIRT2 P2+; range -499 to 100.

GCGTCGGCAGCTTTTCCCAAGCACGCGACCCAGCCATGGCCCCCGCCGCTCAGGGGCC
CCCCGAGTCGCCCCGCTGTAGCTGGGCTTTGCCGGGAGTTCTGGAGCTTCCGCCCTGCG
GGAATTTCCCAACACGCCCCCTGATTACCCAATGATAATATGCTGAATCGCTCACACC
CCGCCCTCGTACTGCATCCTGACCAATCAGAGTATTTCGGGAGGACTACAACCTCTAGCC
GTTCCACATTTTCCGGGCGCCTTTACCAACATGGCTGCTGACGCCACGCCTTCTGGGA
CTCGTAGTCCGGTCTCGCGCGCTTTCTTACCTAACTGGGCGCTCTGGGTGTTGTACGA
AAGCGCTCTGCGGCCGCAATGTCTGCTGAGAGTTGTAGTTCTGTGCCCTATCACGGCCA
CTCCCATTTCTGGTGCCGTACGGGACAGAGCAGTCGGTGACAGGACAGAGCAGTCGGTG
ACGGGACACAGTGGTTGGTGACGGGACAGAGCGGTGCGGTGACAGCCTCAAGGGCTTCAGC
ACCGCGCCCATGGCAGAGCCAGACCGTGAGTCGGGGATCCGGGTAGGAGGGTCGGGCCG
>EP74336 (+) Hs HLA DRB1; range -499 to 100.

GAGACATGAAATAATTTTCCCAAATCTACAACATTAAGATATGGTGCAATAAGGACCAGT
TTAAATGTCTCCGATTTACAACCATGTTCTTCCATCTCCTTTACTCCTAAACACACTC
ACACACTCACTTCTGCAAACAGTTGTCTTGTAAAGTGGGAAATGAATGCTCTTACAAGGC
TCAAACCTTATGAACACATCACTGACCAGCACAGAGCTGGCTCACAATCGGACCCAATTAA
AGTGTCTTACATGCAACTGGATCAAATCTTCAAGTACTAATTTAAAAACAATCCTTTAA
AGAAGGAAATTTCTGTTTCAGAAGAGGACCTTCATACAGCATCTCTGACCAGCAACTGATG
ATGCTATTGAACTCAGATGCTGATTGGTTCTCAACACGAGATTACCAACCCAGGAGCA
AGGAAGTCAGTAACCTCCTCCCCATAATTTGGAATGTGGGTGGAGGGGTTCATAGTTCTT
CCTGAGTAAGACTTGCCTCCTCTGCCCCCTGGTCTTCTGTTCTCCAGCATGGTG
TGTGAAGCTCCTGGAGGCTCCCGCATGGCAGCGCTGACAGTGACACTGATGGTGCTGAG
>EP74337 (+) Hs COPS7A P1; range -499 to 100.

TCTCCTGCTCTTCAAAAAAGTGAGTGGTTGAACACCTAGGTGATCTCTGCTGCTAACT
TCTATTATTGATTTTGTGTTGCTTCTCTGCCCCCTGTTTCTCATCCCGTTTTTTTC
CCTCTTCTCACTCTTCCGCTTACAGCTTTTCTTTCCTCAGGTACCCAGTGCAATCCT
GATCTCCAGCTCTCCAGCGCTTAGAACAGACACAGAATGGGCCGGGACCAGGGACCCAC
CAGAGACGTCTGTAGTTAATAGCTGGCGCTTCCACTAATAAAGTTTTATTGAAATAAA
GCATTTAAAAAGGCGCCCGTCATTCTTCCCCCAGCGACCAATCGAAGAGTAGAATGCCTG
CGTCCCTCACTGGAGCTTCAGCGGTGGAACGCGGGGTGGGGCATGCTCTGCCGAAATT
TGCGTCCTTAGAGCGGAAGTACGGCCGGAAGCCGCCATAGAGTTTAGTGCCAGAGCGA
CTCTTCAGGGAGGTGGCAGGAAAGGCTTGGAACAGCTGCCGGAGGTGACGGAGCGGCGGC
CCCGCCCGGTGCGCTGGAGGTGGAAGCTTCCAGGTAGCGGCCCGCAGAGCCTGACCCAGG
>EP74338 (+) Hs COPS7A P2+; range -499 to 100.

TCTATTATTGATTTTGTGTTGCTTCTCTGCCCCCTGTTTCTCATCCCGTTTTTTTC
CCTCTTCTCACTCCTTCCGTTACAGCTTTTCTTTCCTCAGGTACCCAGTGCACTCCT
GATCTCCAGCTCTCCAGCGGCTTAGAACAGACACAGAATGGGCCGGGACCAGGGACCCAC
CAGAGACGTCTGTAGTTAATAGCTGGCGCTTCCACTAATAAAGTTTTATTGAAATAAA
GCATTTAAAAAGGCGCCCGTCATTCTTCCCCCAGCGACCAATCGAAGAGTAGAATGCCTG
CGTCCCTCACTGGAGCTTCAGCGGTGGAACGCGGGGTGGGGCATGCTCTGCCGAAATT
TGCGTCCTTAGAGCGGAAGTACGGCCGGAAGCCGCCATAGAGTTTAGTGCCAGAGCGA
CTCTTCAGGGAGGTGGCAGGAAAGGCTTGGAACAGCTGCCGGAGGTGACGGAGCGGCGGC
CCCGCCCGGTGCGCTGGAGGTGGAAGCTTCCAGGTAGCGGCCCGCAGAGCCTGACCCAGG
GTACGACGAAGCAGTCGGCGGGAGCCACGGTCGCTGGGCGGTGTCTTAAGGGAGGGGG
>EP74339 (+) Hs USP5; range -499 to 100.

TTTCCTGAGGCGAGCGATAGTAGCTTTATTGGTTGACAGCTGTATCAGTCACTCGACACA
ACCCCTCAAGTCCGCTCACTGGATACCCCTTTACAAATACCAAGACAACGTCCCT
CGACTTTCCGACCGGACAGGTCCCAGGAACTTTCTGGAATTGAGAGGCCTAAAACAAC
CGTCAGTTCTGCTCTTCAATAGAAGGCACGCGAATGGACTCTAAGGGTCCCGAGCCGG
AGCAGCTGCGGAGCCGAGCAGCTGCAACCCGAAGCCACCTAGCTGCTCTACGTGCGC
TCCCGCCCTGGAGGAGTGGGATTGGTTCTTCAACCATCAATTGCCTTAGGAGCGCTTCT
CATTGGCGTCAGTCAAGCGCGGGGACAGGGCGGAGCACCGGCAGGCAGGCTCCGTCCAAC
TGCCATTCTCGCGCTGCTCTCCGCGCGCATGCCCTAACGAGTGGCGCTCATTGGACG
GGAGGGGACAGGGAGGGGACTGGGAACGGTGGGAGCCGCGGTGTGTGGAGAAGCTGCTGC
CGGTGTCATGGCGGAGCTGAGTGAGGAGGCGCTGCTGTCAAGTATTACCGACGATCCGGGT
>EP74340 (+) Hs GUK1; range -499 to 100.

ATGGTTTTTGGAGAGTGGCCGGTTTGGAACGGGCTAGCGGAGTCGTTCTAGTTAGGTC
CCTGCAGTGTAGATGGAGGACGGAACGGCGCTGTGACATAAGCGGGAGGAGGCGGGCTG

AGGCAGCGCTGTGACGTAGCAGATGAAAGCCGGGCGCGCTGCACTGAGGTACTTCTCT
GAGTGACAAGCGGGACAAGTACGCCGTGGGCGGGGCCGGCGGGTCTGATGTTAGTTTCGC
GCTGTGTGGAGGCGGGCCGGCGTGGCGCTGTGACGCAGCGGGAGAAGACGGGCTGGGAGG
GCGCTGTGCTGAACGCCCTGCGGTGCGGACAGGCCAGCGCAGGTGGAGGCGGGCTAGC
GAGGCACTGAGGTAAGTACTTCCCTAAGGGGCGGGGAAGAAGCAGGTGAGACATGGGCGGG
GCAGTCGCCTCATGACGTCACTCTGCGCGCGGGCGGAGGTGGGCCGGTGCGGCGCTGTC
ACGTAGGTTCACTGGGCGGAAGAGGTGGCCCCGGATGCTGCGGCGCCCGCTGGCCGGGCT
GGCTGCGGCCGCCCTGGGCCGGGCCACCAGGACGGTGAAGTACGACAAGCGCATCGCGA
>EP74341 (+) Hs UP; range -499 to 100.

TCCCGACCACCGGGCCAGGGCTGGTTCCACGCTGTCAATTTCTCTCCGCTGGCCCCAGCCG
CGGGGCCACCGCCAGACAGACAGACCGGGGATCCTGCCTGGCGGCGTGACCTTGGGTTAG
TCCTAGAGCCGCTTCTAGCCCCGTTTCTCCGCCCCAGGTTAGGACCACGTGGGTAAGAA
GATTTCTCTGTAGTAGGGGCTGTTTAAATGAGTAACAGAACTGGCTGCTGGTTCTTTACA
ATTGCCACGTGCTCTGCAGAGGCGAGAAGCAATTGCGGGCTGAGCCTCCCGGGACCTTC
GCGGGAGGGTGGAGAGGAGGAAGGCGGGGGAGGCGGGGCCAGAGGGGCGAGGAAGGTGG
GGGCGGGCGGGGCTTGTCTGCGGGATGGCCAGGATGCGGTGAGTTCGCCGGCCC
AGGGCAGGCGGGGCCCGAGCTAGCGGTAACCCCCGGGCAGGGCGGGGCGCTCGCAGAC
TCCATATGAGATTACCTCGCAGGTGGTTCCCTCATTCGAGTGCTCCGCGCACAGACCC
GCGCCCCGCGTCTGCGAGCCTCCCGAGAGCCGTCCCTTCGTCCGGCCCTGGAGCATTGC
>EP74342 (+) Hs FXD6; range -499 to 100.

TGGGTTATTTTCTCTATTTTCCGTTCTCGGGTTTACTATTGCAGAGAGACACCAGG
TCTGTCAATTGTGCTGTCTTGTCTCCCTTCCACCCCTAACAGAGGGAAACCGAAAAGCAA
CAGCTGATGGCAATCCGCTCCGGCGCTTGACGCCTCCTCGGCGGCGAGTCTCTGTTGC
TTCTCGGAGCTTGAAGTCCCTTTGGAAAAATCTCTCCGCCCTCGAGAGGAGAGAGGAGC
AGAGGACGCGCGCAGCAGACAGAGCGGGAGGACGGACAGGGAGAGGAGGAGAGGGGCTG
CGCGCGGCCGCTACCCAGAAGCCAGCGGACGGCAGCAGGAGTGGGCTGTCCCGAGCCC
AGCCCCGAGCGAGCCCCCCCCCGCCCCGACGAGCGCCTCCAGCCAGCCGACTCC
TAGGAGGAGGGGAGGCGGGAAAGCAGCTCAAGCCTCACCCACCGCCCTGCCCCAGCCCC
GCCACTCCAGGCTCCTCGGGACTCGGCGGGTCTCTCGGGAGTCTCGGAGGGGACCGGC
TGTGCAGGTAGCGGCTGGGGAGGTGGGCAAGTTGGCTCCTTTTCCGAGGAGGGGCGA
>EP74343 (+) Hs MT1L; range -499 to 100.

GACATAAGAGAAACGTGGCCAACAGACCGAGGTGGGGACGGGACAGGGACCGCAATGC
AGGAAATCCGAGTGTACATCTCTGCTCTCATTTGCACACTGCTCCCTCGCTATGCTC
ACCGCTCCCGCGATCCAGGACGTGATCCAGGACTCTGGGAAATGCAAAGCTACACAC
AGTGGAGCGGGGCTGGGGGTGTGTAGACCGCCGGGATTCGAGTTTCCGGCACGCCCTA
GGAGAGGGAGAGGACAGGCAATGTGAGGGAAATTGGGCAGGCAAGACGCCAGGACGCCAC
GTACTGCCAGTTCTCAACGAGGTGGAGCCAAAGGGGACGGCCCCGCGGTGCGCCCGGCG
CTGGGCTCACGGTTGCTGCACCCGGCCAGGATCGCGGCGGTGCACTCAGCAGGGG
CGGGTGCAAGGACGAGGCGGGGCTCTGCGCCCGGCCCTTCCCGGACTATAAAGAGAG
CCGCCGGCTTCTGGGCTCCACCAGCTTTTCATCTGTCCGCTGCGTGTTCCTCTTGA
TCGGGAACCTCCTGCTTCTCTTGCCTCGAAATGGACCCAACTGCTCCTGCTCGCTGGT
>EP74344 (+) Hs ARL4 P1; range -499 to 100.

CCACTTCGGGGAGGATGGGCTTATCCCGGCGGGCGCGCCAGGTGGGATCTCTAGCGCCTC
AGGGGCCCGCGCGGCAACAGCCGGCACCCCTCGGGCCCGGACAAAGGGTTAACGCGTTG
GCAGTGACTGCGGGCCCCGGATGTGAGAGCCTTGGCTTGACGCCCTGGCTGCGCTGCAGG
TGCGCCGGGCCGAACGGAGCCGGCAGCCTGGCGGCGACCTGACCGCCGAGGCTCCCTT
CACCTGCAGCGGCTGCTCGGCTCCCTCTGGGAACGCCGCTTTTCTAACTAAGGGCAAC
AGGTGGTGCCGTGGACCGAGAGAGCTCAGCTCCGCCGCGCTGGGAGCGGCAGTTACC
CTACCAATTAGGGAGCGGGGCGGAGTTGCATGGCTTCCCTGATCGGGTGACCAATG
GGATTTGGGATCATGAGTGGACCGGGAGGAGTGGGCGTGGTCCGAGTCTGAGTCCAAGGT
TTCTCGTGCGGCAACTGCCAGAGCTGCTTGGAGAGCTAAGCTGGAAGGGTGCTTATCCCT
GCGTAGAAACGCTGCCAATGCTTTCTCATTTGGACCCAGACTCCAGATCGGGAGGTGAG
>EP74345 (+) Hs ARL4 P2+; range -499 to 100.

TATCCCTGCGTAGAAACGCTGCCAATGCTTTCTCATTTGGACCCAGACTCCAGATCGGG
AGGTGAGAACGTTGTTATTTTGAAGGGTAGGAGGTAATAGTGATCTTGGGTATGCTGT
TAAGCATGTGGAATTAGATTCCGAAGATAGGACTATCTGCTATGAGTTTCTGCCAGATA
GGCACTTTGTGGTTACGGCCACTTAGACCAGATACTGGTGAAGTGGTTCTTTCCAGAATG
AGGTCTTTGAGGTTTGGGGACCCAGGAGAAAAACGTACATATTACTGCAATTTAAGTAAA
CCAGATAATTTCAATCACTGTTATTCCATCGTTTGTCTTGGACTGTGTGTGTTTTCATGT
ACGTTTTCATATCTCGTCTGGTTTGTGTTAGCGCAGCAAGTTATAGTAAGTTCTTCGTGTTG
TTTATTTTAGCAAAGTAGAGCAAACCTGTTTAAATGTATTATTTGGGAGAACTTAT
TCCTTCTTCCGTCTCCAGCAGTCTTATAGCTGGATCAGCTACCAAGAGAAGTTGTAAC
CAAGAAGAGAAAAAGCATTTCAATTTGGGACATTTATTTGCACCTGGAAATGGGGAATGGG
>EP74346 (+) Hs HLA-E; range -499 to 100.

CCCAGGCTGGAGGGCAATGGCACGATCTTGGCTCACCGCAACCTCCTCCTCGGGTTCA

AGTGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCAAGTAGCCAGGATTACAGCCATGCGCCACCACGCC
GGCTAATTTTTTGGACTTTTGTAGAGACAGGGTTTCTCCATATTGGTCGGGCTGGTCTC
GAACTCCCAACCTCAGGTGATCAGCCCGCCTTGGCTCCCAAAGTGCTGAGATTACAGGC
GTGAGCCACCGCGCCAGCCAGGACTAATTTCTAAGAGTGTGAGAGATACCGAAACCTA
AAAGTTTAAAGAACTGCTGATTGCTGGGAACTCTGCAGTTTCCCGTTCCTCTCGTAACCT
GGTCATGTGCTCTTCTTCTGGATACTCATGACGCAGACTCAGTTCTCATTCCCAATGGG
TGTCGGGTTTCTAGAGAAGCCAATCAGCGTCGCCACGACTCCCGACTATAAAGTCCCAT
CCGGAICTAAGAAGTTCTCAGGACTCAGAGGCTGGGATCATGGTAGATGGAACCTCCTT
TACTCTCTCGGAGGCCCTGGCCCTTACCCAGACCTGGGCGGGTGAGTGCAGGGTCTGGG
>EP74347 (+) Hs MYO22 P1; range -499 to 100.

CAAAATGCTTCTCTGAGTTCACTATTCAAATACTACATACTTTTCTCAACCTAGCATGAGT
TCTCACTACAGCTTAAGAAGTGGCTCTATTGATCCACCCACATTACTTCTTTCTTCTT
GAGTCTACATAGATATTACTGCCTATATTGTTCAATTTAATTATGAAAAATCTATCATT
TGTTCTGATTTCATGCATGTGTCTTGGCACCTCAATTAACATGTAACATAAGAGCTAGA
TGTTTAAAGTGTTTAAATCCCTTTTGGCTACTATCTGTTCAACAGAAAGTGCTCACTA
AAAACTTTCTGCATGTCCAATGAACGTTTCATTTAACCATCTCACAACTAGAAACACAA
TGGAGAGAGCCTAATCTTCCCTGTTCCCTTTCCGAGGAAGATATGAGTAGCTAAA
GTATTTGGTGCTATATATAGCCAGTTGATGTGAGCTGAATGCCAGTCTCTTCAGAAAAGC
TCAGTCCCCAGTTTGAGTCAGAGTAGGGACCATGCTGTCCAGGTTCAAGGATAAAAAACC
ATCAGGCCCAAGTGCCATCCATAGTCCATCTCCAGAGTCTTCTCCACAACTGGGATTC
>EP74348 (+) Hs MYO22 P2+; range -499 to 100.

CTCACTACAGCTTAAGAAGTGGCTCTATTGATCCACCCACATTACTTCTTTCTTCTTG
AGTCTACATAGATATTACTGCCTATATTGTTCAATTTAATTATGAAAAATCTATCATTCT
GTTCTGATTTCATGCATGTGTCTTGGCACCTCAATTAACATGTAACATAAGAGCTAGAT
GTTTAAAGTGTTTAAATCCCTTTTGGCTACTATCTGTTCAACAGAAAGTGCTCACTAA
AACTTTCTGCATGTCCAATGAACGTTTCATTTAACCATCTCACAACTAGAAACACAA
GGAGAGAGCCTAATCTTCCCTGTTCCCTTTCCGAGGAAGATATGAGTAGCTAAAG
TATTTGGTGCTATATATAGCCAGTTGATGTGAGCTGAATGCCAGTCTCTTCAGAAAAGCT
CAGTCCCCAGTTTGAGTCAGAGTAGGGACCATGCTGTCCAGGTTCAAGGATAAAAAACCA
TCAGGCCCAAGTGCCATCCATAGTCCATCTCCAGAGTCTTCTCCACAACTGGGATTC
TCCCCGCTGAAAAAGCACAACTAACAGCAAGGTGAGTATGTTGTTTCTAAAATGTTTC
>EP74349 (+) Hs TPMT; range -499 to 100.

ACCTCTGAGCGCCAGCGAGGCGGTGCGCGCCGCCCTGGACTGCGGGCGCCTCTCCGGAGC
CGCGCGCGCGCGCACAGGACGGCTGACAGCGCGCGCGAGCCCCAGCCTCTTCTCGGCC
GCCGCGCGCGCGCGCCTTCCGCCCTGTACGCGGTGACCCGGGGTGGGAGGAGCCGAC
AGGACTAGGGATGGGTAGGGTCCCCGCCTTCGCTTTAGCCGCAGCGCTCGCTCCGCCCTG
CCCATTTCCGCCCTGCGCAAACCCGGCGCTTGGGGAAGTGGGTGGAGTCTGTGCAACG
AGGTACGGGGCGGGAGTGGAGACGGGGCGCGGGAGAGGGGGCGGGAAGTGGGCGGGGC
GCGGGAAAGAGGCGGGGCGCGGGAAAGAGGCGGGGCGCGGGCGGAGGCGGGGCGCGGGCG
GAGGCGGGGCGCGGGCGGAGGCGGGGCGCGGAGAAGTGGCGGAGGTGGAAGCGGAGGCGT
ACCCGCCCCCTGGGGACGTATTGGTGGCGGAGGCAATGGCCGGCAACCAGCTGTAAGCGA
GGTAGGCTCACTCGGGCGCGAGGGTGCGGGTGAGAAAGGGAACGATTTGCTAGGAGTG
>EP74350 (+) Hs AP1M1; range -499 to 100.

ATAAACAGGCACACTCATTCAATTGATAAATGTTGACAATGACAGGTGGTGACTGTTGATA
AGGTTTGATTGCCATTAGAAAAGTTTGTGTTGACCTCTTTCCAAGTAACCACGACCTTACC
TCTCTCTTTTGAAGTTATCACAATTGGTGACTGTACACTTGTTTCATAGACTTCCCCACC
AGACTGTGAGCTCCATAGGGCTGGGCCCCAGGTCGGTTTACCACCAGGCTCTCTCGCT
AACTCGGCCACGGGAGGCCGTTTCCAGCTGCTCTGGCTCCATAGCTCAGCCTGGCAGCG
GCCACTGGGTGCCCTGATTGGTCGGCCCCGCCACCGGGCCTTACTTCCGGGATGCTT
CTGGCGGGAGCAAGAAACATGGTTACATACGACGTAATGCGCTGCGCACAGTCCGTCTT
GCGCTGCGCATTCTGACAGCACCTCCCGGACCGGACATAACGGTCCCCGCGCGGCTCC
CCGAACCGGAAGTGAGAGTGAGCTGTGCGGGCGGCGCCGGCCTTGCTCAACGCCCAGC
AGTCCCCACCGTCTGCTGCCGCCGCCACCGCCTCGGCCGCTGCCGAGGCCTCTGCAGCC
>EP74351 (+) Hs S100A2; range -499 to 100.

CCCCAGCTGCCTCTCTGGCCCCAGCTTCTTAAGGGTGGCCCCAGGTTGCTTCTCTCTC
ACACACACGGGCGCATGTATGTACACGAGCACTGGACCATGAAGTCTCAGCGTGTGCTCA
CAGCTCTCACACAGGAGTGGGCTGTGACTCACAGGCATGTGATGAGAATGAGGCCTGGC
ACCACTCTCAGGCCCCAGAGCAGGGGTTGCCTCCCCTACCCCGGTCCAGGATGCCAG
TCCCCACGACACCTCCCACTTCCCACTGTGGCCTGGGTGGGCTCAGGGGCTGCCCTTGAC
CTGGCCTAGAGCCCTCCCCAGCTGGTGGTGGAGCTGGCACTCTCTGGGAGGGAGGGGGC
TGGGAGGGAATGAGTGGGAATGGCAAGAGGCCAGGGTTTGGTGGGATCAGGTTGAGGCA
GTTTGGTTTCTTAAATGCCAAGTTGGGGGCCAGTGGGGCCACATATAAATCCTCACC
CTGGGAGCCTGGCTGCCTTGTCTCTTCTGGGTCTGTCTCTGCCACCTGGTCTGGTGA
GTACCTCTGTCTGCTGAGGGCAGGGTGGGAGGATCCCCGTGGGTCTCTGTCTTTGTCT
>EP74352 (+) Hs SIAT7D; range -499 to 100.

TCCCCAACCAACCATTTTCAGAAATGGAGACACTCAAGTCCGGACAGCCAGGCCGCACTGC
CTGGTGGCCCCCGACACCCTTAGGTCTCTTTCCCTGCGGCCGACAGCCTCGCCAGG
CAGGAGCCTGCTGGAATTCGGCAGGACCGAAAAGGGAGATGCTGGTACTCAGACTCCGC
CCCGGCTCTGAAGCCCCGCCCGGCCCTGAGGCCCGCCCTAGCTGGAGGCTCGCCG
CCAGCCATTACGTCCCGCCCGTCCCGGCCGCGCAGAGCCCTCCCCAGGTCGCGCAGGC
CGCGCTCGTAGGATCCGCCTGCGGCGCGCAGGCCCGCCCGGCCGCGCAGTCTCCGCC
CCTCTCGCCGGCCCCGGCCCCGCCCGCCCTGCCTCTGGCCGCGCGGATCAGCTTC
CAGCCAGTCGCGCCGGCCCCGGGGCCATGGAGTCCGAGCGGCGGATCGCGAGCCTCCT
GCGAACCCACAGCTGCACGCCGGTTAGCATTTCGGCCGGGAGATGCGGCAGTGGAATCTG
GAAGGGCGGTGAAAAACCTACGTCTGCCCTCGCCCGGCCCTCTCCATTCGTCGCCCGGT
>EP74353 (+) Hs BUB3; range -499 to 100.

CTTTTGGTTAGCTTCACGGGCGTGTGCACGCCAGGGATAGGGAGACAACTTTAGGACTA
TATAAGTATTGCCCAAATGGGATTCTTGTGTTTCAGAGACTAACTTCAAGGGGAGGGCG
CCATGGACAGAGCTGTAAAGATCTTTCCCGCTTTCTATGAAGAGGGCGGGCAGAGCGTCA
GCCCTAGAAAACATATTTCCAGAATGCCATACGCAGGCGGGAGAGGGCATGAACAGA
GCCTTGGCGCGATGCTCCTTGGGAGGTGTAGTTTCCACGCTCCAGCTCGAACGCTGATG
CCCCAGCGGGTGGTAAATGAGCCCCACGTGATCGGAAAAGCAGCGGTTTCCCTTTGAGC
CGGAACAGGATGACTGGGTTGACCGATGCTGGGCAGCTGAGCGGACCAATCGGCCCCCTA
GACTGAGACGTTGGCGTTTGAATCAGCCAATGGCAGGTCTACACTGGAGCTTCCTCTCC
GCCTCCTTCGCTAGCCTGCGAGTGTTCTGAGGGAAGCAAGGAGGCGGCGGCCGCGCAG
CGAGTGGCGAGTAGTGAAACGTTGCTTCTGAGGGGAGCCCAAGGTAGGGAGGCGAGGCG
>EP74354 (+) Hs SERPINB6; range -499 to 100.

AGCATCTCTCACAGGGCCTCCAGTAGGCACCTCCTTCCCTCTCCATCTGCTCCAGGAA
ATGTCTGCTCCAGCTTCTCCCTTCTTGTTCGTTGGGTTCCCACTCACTGCTCAAGTGA
GTCAGTGGGACTGTCTTAGAATGCTGGCATTCTCTGACTGGGACATATTCATTTGGTAAA
CATCTGAGAACTGTGTGAGAGCAGGCAGGCCCGCATCCCTGCATTCTGTCATCCCTCC
TTCCCAGCCTGACTGCCTGTGGGGCCCTTAGCTGCCCTTGTCTCTCACCTGATTCTGC
AGATTCTTCTTCTGAGCAGCAGCTCAGAAAGCGCATCCGCCCTGCGTTTCAAGCCCAGC
TACTTCTTAGCTTCACTTCCGTCAACTTCACCTTCCCTGTAGTGCAGTGGGGCATTGATG
GTAGGTCTCTTAAGGGCTTGGTGGACTTTAACAATGTGATTCTGTGATTCCGACTTGCT
GAAGATACCCAGCTCCCCCTCCCGACTATCCAGCTGCATTCTGCTCTGGACCCTGCT
GGGGCTGCCACCCACTGCACGGCAGGGCTAGAGAGATGTGCAGCCTGACCCTACCCT
>EP74355 (+) Hs MRPS36; range -499 to 100.

TAATAAACGGTAAAGAAAACAGAAACAATTAACAATCAAGCAATGCCAATCAGCAAGAGA
GTGTGACATGGCCCTTTTTAAGCCAGAGTAAACTCTTGTGAGCTTGCCACTAACTCCCAT
TTTAACGAAATTATTCATTTTAGGAAACCGCAAGTTTTTTTTTTGTTTTCTTTAATTT
TTTTAATCTTTGCAAGAGCTGTCAGATAAGAAGGTTGTATTATTTATTTGGTTCCAGATA
AAATTTTGAATATATCGAAATTATAGACTGGCTTTCTGAAAGGAAATGGTCTAGACA
ATTTATAGGCTAATGAGCAGAGACCCACCTTAACAAAATTTGTCCCCAAAACGAAACAA
TAGAACACACGTGGGTGGATCCTAGTAGGGAGAAGGGGTGGGCGGGGTGAGGCACAGGGG
GCGGAGCCAGCCCCACGGCGGAGGAGAGCCAGTCCGGTCTCCGCCTCCGTGACGTCCCG
GGAAGCACCGCCACAGCTGCCCGGGACTCCAGTGATCGCCGCGGCTCGCTCGCGCCCCG
GAAACTGCCCTTCTCGGGGGTCAATGATGGGCAGCAAGATGGCGTCTGCTAGTAGGGTGC
>EP74356 (+) Hs BAG1; range -499 to 100.

CGGGTGTGTAGAGGTCCTGAGCCTACTTATGCATGATCAAATGCCACCGTGCCAATGC
AGTCAGTCAGGCTGGGCGGCGGAGCCTTGGGTTTCGCTTTCCCGAAGAGTCGGTTCATCT
TGAGCAGCCGGAAGAAACCAAACTAGAGCAAAACCAGAAACGGAAGCAGAGTCACT
CCCGCCTCGACTTCGGGCCCTCCGTGCGCAAGCGCAATATGCCTCTTGGCGTTTCCCGA
TTCTTTTTCCGGATTTTTCAGCCGGGTCTTCCGGGGATGGAGAGCAAAAGGACTTGGTGCT
CTCGGAGAGAGCCTGACGGGGCGGGGTGTTGGTGAAGGAGTGGGAGGGGTTTTACTGT
AGCAAGGCGGGGCTCAGTTGAGTGGGTGGGGCTGGAGGCAACTAACGCGGCATAGGGC
GAGGGCGGGGCCGCGAGGCCGGGGCGGGGCTGGGAAGTAGTCGGGCGGGGTTGTGAGACG
CCGCGCTCAGCTTCATCGCTGGGCGGTCAACAAGTGCGGGCTGGCTCAGCGCGGGGGG
GCGCGGAGACCGCAGGGCAGCGGGAGCGGCTGGGTTCCCGGCTGCGCGCCCTTCGGCCA
>EP74357 (+) Hs MRPL37; range -499 to 100.

GCAGTCACGCTCAGAGCTGGCTTGGGGGACACTCTCACGCTCAGGAGAGGGACAGAGCGA
CAGAGGCGCTCGCAGCAGCGCTGTACAGGTGCAACAGCTTAGGCATTTCTATCCCTAT
TTTTACAGCGAGGGACACTGGGCCTCAGAAAGGGAAGTGCTTCCCAAGCTCCAAGTCT
CATAAGCAGTCAACCTTGTCTAAGTCCAGGTCTGAAGTCTTGAGCGATTCTCCACCCAC
CACGACCACTCACCTACTCGCTGCGCTTACCTCACGTGAGGATTTTCCAGGTTCTCTCC
CAGTCTCTGGGTAGGCGGGGAGCGCTTAGCAGGTATCACCTATAAGAAAATGAGAATGGG
TTGGGGGCGGGTGCAAGACAAGAATATCCTGACTGTGATTGGTTGAATTGGCTGCCATTC
CCAAAACGAGCTTTGGCGCCCGGTCTCATTGTTCCAGCAGGCCCTGCGCGGGCAACA
TGGCGGGTCCAGGTGGAGGTCTTGAAGGTATCAGATCGGTATGGCATTGGCGTCCGGGC
CCGCAAGGCGGGCGCTAGCTGGCTCCGGCAGCTCGGCTTGGGGGCTTCGGGGCCCCGA

>EP74358 (+) Hs ZWINT; range -499 to 100.

TCGCTTTTTGAGCGCAGATCATTTTGCTTCTGTATCTCCCGATCACTATTCTTTACTGA
TTCCACAGCGTCTTAGAAACAGCCCCACTGTTTTTCGGGGTTTTGTTTTTTTTTTTCTACA
GCAGTAGTGAATATTTTAAATAAAGTGTCAATGCTGTAAGTTTCCCTTAAACGCAAACCT
CAAGGAAATGCTTTCCCTTTTTTCGAGTAGAGAAAGAACTTCCACAGGCGCGCGGTGAGC
TCAAGCCCACTTATAGTCTCTGGCACCGCTAAGGACTAGCGCGCAGGCGCAGAGCCCGT
GCGCGCTAGCCATAACCGCGCTTGCGCCAAGCAGCGAGGCCGCCAACGAGCGAATCCG
CGCCTGCCAATTAGAGCGCACAATGGTCTTGATGCCCCCCCACTAACCTCTGCAGCCAA
TCGCTGCCCCGGCGCGAAGTCGACTGTGACTTCAAAGTAATCTTAGGGATTGTGGGAAG
GCAGCTGAAGTCGGCGCCTGGAAGATGGAGGCGAGCGGAGACAGAGGCCGAAGCTGCAGC
CCTAGAGTAAGTGTTCGGGCTAAGTGGCAGCTGGGGCCGGGCTGGGAGGACCTTGTGG

>EP74359 (+) Hs RBM4; range -499 to 100.

TCCACAGCGTCTGGCCGCGAGGGGGGGTGGTGTGGGAGGTTAGAGGGAGACACCTAG
AGTGAACGGCAAAATGGAGCGCGGAATACTGTCTGGCTGTGCACGTGGAGGTGGCGAAAT
GTGGAAGCTTAACGAAGTTGGCGCCATGAAGCTAAAGACTGCTACCCCGGGGCTCTAGCT
CGCTCCGCCTAATGGCGGGCCGACCCCGCGCGGAAGCCACGTTTGTAGGTCGCCCT
CACGCTGATCTTTGCCCAATCAGCGAGTTCGGCTTCGCGAGGTTGGTGCCCATGGCTT
TCGCATAAAAGCTCCGAGGTTACAGACGTTTCCACCTCTTGCCGGGCTCTTAGGTAATTG
GCGTCCGTGGTAACCAATCAGGAAGAGGATCTGAGGGAACGCCGGCCTTTTACTTTCTTG
AGTGGCCAATCCGGTTGTAGGCTCACCTCCCCCTTCTACTCAGAGCACTGCTGCGGCCGC
CGCCATTTTAGCGTTTTGTAGAAGCGTCCGCGCCGCGAGGAGGAGGCCCTGCTGGTTTC
TGTGCGGGTGAGACTCCGAGCCTTCCACTGCCTTTCTGTACTGTGTTAAATCTTCTCT

>EP74360 (+) Hs METTL1; range -499 to 100.

AGTTTGCCCTCCTTCTCCAGTTCGATTTCCTGGAGGTGGAATGAGGAGCTGCCCTCCC
GCCCCGGCCCCGAGCGCACACTCGACGAAACCCACACGGGACCACAAGAGTCAGACCGGG
CGGACTGGTCCGAGACCAGGAGTAAGGGGACAGGAGCGAGGACTGATGCCACTGTAGAAG
GCGAGGTCTCTAGACCCCTCTCACCTGTGGGGTGACAGGTGCCTGCAACCAGGATGGTA
ACCCAGACCAGGCAGAAGCAAGCTAAGAGAAAACGTTGGGTCCCTGGGCCTGGCCTCGCC
CTCCCACTGGAGGCTAACGGTGCGGAGGTTCCCTCCAGCACTCGCTCCTTACAGCCCTC
CCCACCTAGCCCAGCCCAGCCCAGCCCAGCCAGCTGAATTTGCTCTTGGGTCTTTAAGG
GGCGGGAAGTCCACCAACGCGCATGGCTGCGTCATTAAGTTCGCGCTCTGGCCTGCGCC
TCCACGTGGATTGGTAGAGAAACCCCGGACTGGGATCATGGCAGCCGAGACTCGGAACG
TGGCCGGAGCAGAGGCCCCACCGCCCCAGAACGCGTACTACCGGCAACGTGCTCACTCCA

>EP74361 (+) Hs IKBKG; range -499 to 100.

CCCCTACTGTCCGGTTTCCCCGCTGCCCGGCGGCTCGCGCTCGCGGAGGGCTCCA
CTTCCGCGGCGAGCGTGGCCACGCTCCTCTGGGCTGTCCCTCGGCTCCTGGCGGGGCC
TTCTGCCGCGCCACTCCCCGGGAACCTCGCCTGTTGCGGGTCAAGCCGGCCCTATTG
GGCAGTCTCTTCTGATTCTCCCCGGAGAGGGCGGGGCGGCCGAGCGCCCCGAGGCTA
GACGCCGCGTCCGAGAGACGAGGGGGCGTGTAGGCGGTGACGCCCTGCAAAGTGGCCGG
CGTGCTTATCATTACCGAGCTTCCGCGGGCCTGCAGAGCCTGGCGGACTCAGACTTCTCT
CCGGAGCGGGATGCGGCCCTACCGCGGCTCACACTTCTCGCCGGCTTCCGAGTTCTCG
GGGGCGGGGCTTGTGTTTTTACTTCCGGATCCACAGCTATGACACCGGAAGCCGGAAGC
GTGGTAGGGAAGGGCGACCGGAAACTGGGACTTTCTCGGAGCGCCGGGGCCCTACCAGC
GTTACAGTCCGCCCTCCACCCCTTCTCACGTCTGACGGACTCTGCTGACAGGTGTGGT

>EP74362 (+) Hs ETV5; range -499 to 100.

TGAGTGGGTAAAGGGGAAGAGTCGTGCCTCGGTGAAAAGTCGGGAGAGCGGCGAGAAGGG
AAGTAACGGCGGCTCCTCTGGCCTCGGCCCTTTAAGTGCTTCACTGACTCAGCTAAGC
TTCCCCCTCAGTTCGCTTTTTTATGAATGAAAAACGTCTTACATTACATTATATAAACA
AGCCTGTGCTGATTGGCCAATGGCCCCGGTGCATAAATTATGTAAACAGACCCCTGAG
GGGGTGGAGAGAGATGCACCGCTGGCCAATGGGGGCGGAGTTGATGGGCGGCTTGTGTT
GGATTTGCCGCGAGACAGGGTAAACAAGAGGTGATGGACAGCCGCGGAACGGCCTCTGG
CCAATGGGAACAAGGCTGGGCTAGGGCCGCGGGCCAATGGCGGCGGGCGGAGCAGCGAGC
CGCGGGGGGGCGGGCCAGCGCTCCAGCCTGGTTGGCAGCTGCGGCGCAGAGTCCAGCCGC
TGGTGCGCGGAGCGGTTACCGTCTTCGGAGCGGTTCCGGCCAGCCTTTCGCCAGGCGC
CCAGGCCCGCTGCGCGCTGCGTGAGCGCGCTGCGCCCGGGGGCGCTGCAAGGGGAG

>EP74363 (+) Hs STX10; range -499 to 100.

CTCCCCAGACCCTAGCCAAACCTGACACTCGGGACCCTGGGATGGGACGATCTCCAGG
TGCCAGCTCAGGGAGTCCATGAAAAGCTTCAACGAATCGAATGAGCCCTTCCCCAGCCA
TAATACCCAGCCGCCAGAGATGAGGGAGGCTATCATTATTTACATTGCCCGTGCCTGGAA
GGGAAACTGAAGTTGCGCAGGAACAATCCGAGGAAGTGGGCCTTGAACCGAAATTCCGAA
CTCGGACCCGAATAGGCCAGACAGAACTCCGACACCGCCCCCTACGGTGCGGCACGAGA
GGGCTAAGGGGCGGGGGCATGTGCACCGGAAGCTGCCTCTGCCACAACCAAGATGGCTG
AGGAGAGGGCGGAAGTGTCCGCACGTGGGCTCCGAGGCTTCTTTCTCCCCTGGCGG
TCCGGCTCTCGATGGTGGCGTGACGGGGCGGGGGTGGCGGCGGCTTCTCCTCGTTGGG
AGGGAACAGCCGCGAACCAGGCCGGGAGGGGGGTTTCGGCTGGGGGGGAAGGGACTG

ACATGTCTCTCGAAGACCCCTTTTTTGTAGTCCGAGGGTGAGTGACAACGACGGGGGAGG
>EP74364 (+) Hs RPL28; range -499 to 100.

GGTTCCGAAAATACCCGAGCGGGCTCGGCGCCCTATTGGCCATCACCGGAGGGCTTA
CGAAGACCGGAAATATCCAAAGGTGCCGGGCTAGGCTTATATAGTTCACGCATTACCA
GTTTCATTATAAAACAAATGTTTGTGAGCGCCATCATATGCCAATCACAGTGACAAGT
GCTGGGTGAGCAATACTGGAGAGATAACGCTGAGGTATGGGTCCCAGGACCTCTCGAATT
GGAGCCACTCGGAAATCCAGCGGTAGAGTTTCGAAAACCTCCGAACGGTTCGCGAATAC
GCTCTCGGCCCTCTAACCGAAGAGTTCCGAATATTCCCGAGCGTTGAGCGAATTTTCGGC
GGAAGCAGCCGAACATCATCGAGCCGCCTCGGAGGTGGGGACCGACAACCTCTGTCTGTC
CCGCCCCGAGAGGAAGCGGAAATGCGTGTACGGTATTAAAGGCGTCGCCCTCGCCCCCTCGC
CTTCTCTTTCCGTCTCAGGTCGCCGCTGCGAAGGGAGGTGAGCGTTCGTCTTCTCTCGC
TGGTCGCCATCTCCGGCCCGCCGCGCACTCCCTCTCAGTCTCTGCCTGCCTTCTCCCT
>EP74365 (+) Hs POLR2I; range -499 to 100.

ACCGCCAGGAAGAGGGCTCTCTTACTCTTGGGCCAGCCAGCCAATCCAGAGGGGCTT
CCATAGTTCACGGTTCTTCCAATAGCGGCCCGGAAAGGACCAGAACAGGCGGCGAAGAC
TGAAGCCCCGAGGTAGGAGTGGCAAGAGCTCGCCAGTCCGCGAAGGGTAAACTCGCGCA
TGCGCACTGGCCTTCAACCAAGCCAAGCGCTTGGCTTCTGTCTGGATGCTCAGTGT
TGGGTTTTACGATGCGCATCGTTTTCCCGCTCTGGCACCAGATCCATACTATTCTGTAA
ACTGAGGCGGCGATGCCAAAAAATTGGAAGCAATTACTCTAAGATATCAAAAGATTGAAG
CAAGCCATGAAACCTCTGCGCGGAGAGAGCCGAGCCGAGGCGGCGGGGAGCCAGCACGT
GTGCGCAGCTCCGCCCTCTTTTGGCGAAGCACCTAGGCCTGGCCCCCTCCCGCGACCTGTA
GCGCGGCGGAGCAAGCGCGGAAGGCTGGGAGGGCTGCGCGGGCTGCGCGTCGCCATGGAG
CCCAGCGGGACTTACGAGCCGGGCTTCGTGGGTATTCTGCTTCTGCCAGGAATGGTGAGGC
>EP74366 (+) Hs SYAP1; range -499 to 100.

ATCCCATTGTGTGTTTAAACACCTTATTCTGTCTCTTATTCCTGTTGGGCTTGGCGGC
TTTGGGTTAGTTTTGAATTGGGCTCAGGAGGAGGCTAAAGACATCCAATTCTGCGGGAAC
GCAGCCCTGCGGGACCTGAAAAGGCGAGACTAAGTCACCAGCCAAGCTGCCTAGAGGCAA
TCTTAAAATGGGACTGGCTAGGACTGTGACAAAGACACCGTCCACATGCCTACTAGGTCA
GTCACCTACAAAGCTGGCGAATGAGGAAAAGAGGGAAGGCAGGGCTACGCTGGGAAAGCT
CTTTGTCCCCATCCACGCGCACAAAACAGTTGTCACAACTGACGTACACAGGGGCGGAG
CCTTTGGACGGAAGTGACGCTTGC GCGGCCGCGGCGGAGTCGTATAGAGGCGGGGCTGC
GGCGGCTGCGGTGTTCTCCGACTTCCGGACATCTCCTGGGAGTCGCGCAGAGTGGAGT
CAAAGGCAACCAAGTGTGCTGCGGTCTCTGGGGTACGGACCGCGGCGGCGGCCCGCGCA
GCGGGATGTTCCGGGGCTTGAGCAGATTGGTTGGGCTTGACGACCGGTGGCAGGCGGTG
>EP74367 (+) Hs DKC1; range -499 to 100.

TGTGGCACGCACACTACTCTATTGGCCATCTGCTCTAGCTGGATGGGAACTGCAAGCAG
CAAAGGCCTTTCAACCTCTCCGAGCTTCAACATGTTCACTTATGCATCAGGACTGATCCA
ACAGCAACCTGAAAGGGTCGGTGTGAGAAAGCAAAGAAAGAGGTACTGTTTACGGAGCGT
TCAGCCGTGAGCCCAGGCGCAGGCGCGGAGCTAAACCCGGAGGTGAAGCAACTACAGCTG
GGGCCACGCCACAGACTCCGGGCTGTGCGGGCGGGCGGCACTCGCGTTCAGCCTGGG
CCAACCAGGCTGCTTGAGGCTCGAAGCGCATGCGCGGTCTCGCCCTCCGTACTGGCCGAG
CCAGCAAAATCGATTGCGCAGACGACAGCGGGCGCCTCGGATTCCGCCCCCGGGATGGC
CCCGCCTCTCCCGCCCCGCGCAAGGCACGCACAGGGCAGTGCGCGGGTGGGTGGGTCC
TAGCAGCGCGGCTGACGGGACCAAGGCGGCGGGAGTCTGCGGTGCTTCCCTCGGCTGTG
GACCGGGCGGCACGCACGCGGTGACAGGTAACATGGCGGATGCGGAAGGTAAGGGCTGCA
>EP74368 (+) Hs FEN1; range -499 to 100.

CCTTCCCCACCTTCAGCCCAAGCCGGAGGTTCCAGGAGCGTCTAGCCCTCTGGATCTCC
GGCGTCTGAGGAGATAAGCGCGGTGTGGGTGAGACCCGAGGGGTCTCGCATCTCCGTC
TGGAACCTCCCCTCAACGCTCTCACCATTTTGCCCCGCAAGGCTAATCCGCCGCTCCGCC
ACCGGAAGAACACGTGCGCAGGAGGCGCCTAGCACAAACCGGAAAGGAAGTGCCCTCC
GGCGCAAGTGGCATTGAGGGACTTGTAGTCTGCGATTTGCGGTGTAGAGGGAGCAGGGG
CCTGCGGGGACCTGGTGTGGGTGGAGTGGGGACAAGCGGTGGAGAAGGGTACGCCAGGGT
CGCTGAGAGACTCTGTTCTCCCTGGAGGGACTGGTTGCCATGAGAGCAGCCGTCTGAGGG
GACGCAGCCTGCACTACGCGCCCCAAGAGGCTGTGCGTGGCGAGCAGGTACGTGACGGG
AGCGCGGGCTTTGGAAGGCGGCTGAACGTGAGGCCACCCGCGCTAAGCTGAGAAGGGAG
AGCGAGCTTAGGACCGCTGCCCGGGGCAACCCGAACCAAGCTTTAGCCGCCGAGGCCG
>EP74369 (+) Hs VRK1; range -499 to 100.

TTAGGTAGACATTGAGATATGCTTTGAAATAGGCTTCGAAAAACAGGTAGGATTTAGACA
CATATCAATGAGTGGGCAGAAATAATACTAACACTATCTGCTATTTATTGAGCACCAACTA
AGTTTAAAGTACTGCCTATAGATTATTTCAATTAATCCTAACAGAAACAGGAACTTATT
TTACACCCAACCTCTCTGCCAATACACTTAATAAATCAAGCTACTACGAACAAGGCTGTAA
ACCACATTTCTAGAAAGACAGGGAGCAGAAGGACGGGGATCTCCCTTTGCCGCTAAGAG
ACTCCAACCTCCAGGATGCCTTGGGAGCGCTGGACCACAGCTCCCGGCATTCCCGGGGAG
GCGCGGGGCTAGCGTAGCCTCCGCCCGCGCCTCGCGTTACCACTCGTCCCGCCCCCTCT
CGTCGCTCCGAGCCAATGGGAAGGCTCCATACTGCAGGGTGCGAAGGGGCCGCGCCGC

CTGCCAGTTACGAGTCCGCCGAAAGCGCGCGGAAGTTCTGTACTGGGCAGAACGCGACGGGCTGCGGGCTTAGGGTAGGGAGGCCGAGGCGACACGGCTCGAGGACTCGCGCGCCGAGCCG
>EP74370 (+) Hs PDE6D; range -499 to 100.
CCAACTCAGCGGGCGGGTTTGTGAATTTGCGCACACTGCGCGGCACACTGGAGTCTAAGT
TACAGAGGAACCGAGTGCAGGGGATGCTGGGATTTGTAGTCCCCGGGCTCTTTGTGGT
CGCTGGGATCTGTGGTCCCCGAGTGCGCCGCTGGAATGCTGGGAAATGTAGTCTCTGTC
GCGTCGCACAGTGAACCTCAGCTGCCGTCTCAGACGGCTAGTGTGCTCAGTGGCTGGAG
AGGTCCCTAAAGCCTCTGCAGATCCGAAGCCAACCTCCGCTGGGACAACTCTAGGCAA
CAACACCATGATGAATTTGTGTCTATGGGACTTCCCGGGAGGGCCCTTCCCATTTGACG
TTAAGGTCCTCCCTGCGAAGCCGCTGCGCGCTCTACTGGTGGTTGAGATGCCAATCGC
CAACAGCTGGCTTTCCATTTGGTTCCAGAGGGCACTGCGAGGCTAGGGGGAAGGAGAAGGG
ATCAGAAGCGGGAGCTGAGGGGAGAGAGAGGCGCGTCTGGTCTGGCCGCTGCGGCTGC
AGCCCGAGGTCTCCAAGCCGGGCTGCGGCTCCATCTCGGCTCTGGGCACCGTCTGCGA
>EP74371 (+) Hs EIF3S8; range -499 to 100.
GTGTGACTCGCGGGCTCAGCTGGTTGGTATTTTTTGGGCTCTGCTTCTGGTGGGAGA
CCCAGGTGAGGTCCGGGTGGGGCCGGTGAGGGGTTGGGCGTCGGGAGGTGTTGGCTCG
GCCTCTTCGCGTGGCCGGTGACGCCTTGGCTCCCCGCGAGGTCCGGCCGTAGCACCTCCG
CGCCGTGCGCATGTGCGGGTTTTTACCACCGGTTGCGACAGCGAGTCCGAGTCTGCTCT
GTCCGGGGAGGAGCTCGTCAACAACTGTGCGAGGCAACTATGGCAAACAGTGAGTTGC
GGGGGCTGTGGCTGTGACCATTTCTGGGAGTGCGGGGTTAGGCAGGCTGTGGAACGCAGT
CACATGGGAGGGGATGGAGGTGAGGGCGGGGAGAGTGGGTTTGGACAATGACCAGAGTTT
CGAGGATCGGAGCGGTGTTGGAGAGAGACAGGCTTAGAGGGCTGTATAGCCGGTAGCCA
CCCACACGACAGAGGTATAGATACAGAGGCTTTCCCAAGCCAGATCTGTTGCATCAGC
TTCTTAAGTGGCTTAAGTCTACAGCCTCTACCTGTCTCTCTCATTTTACCGCCGAGAA
>EP74372 (+) Hs PAPOLA P1; range -499 to 100.
CGAAGTACTTGTACTTTGCACTCCAGTACGAAGCGGCGGAGTAACCGGTTCCAACCCAA
GGCAGCGACTCATGCGAGTCTGTTCTAAGCGCGCGCTGGGGGGTACATACGGTGACACGCG
TGGGTGCCTCACCCCTGGCAGCGCTCCAGGGACGCTGCTCCGGGAAAGAGCAGCCGCC
GCGACCTCAGGCGGCGGGAAAGGTGGGACCTCACAATGCGCCGGAAGCGGTGCCTCTGG
CTTGGGATCTCTCCGGTTCTTCTTTCGCGCGTCCACGCCGACTGCCACGAGGGCGTC
CCCGCCGAGGGACAACCTCACCGCCCGGGGCTCCCTGAGCGTTCCTTCCACCATCTGA
CACCCACTGCTAAGTGTGAGAGGACCCAGGGGGTAATTGCCGGGCGCGAGGCGGCCTTAG
GAACTCCGCTTCCCGTGAGGCTTCGCGGCGGACGGCGCTGGTGCGCAGGCGCACGCACGG
CGTGCGTGGTGGCGTCAGCAGTTCTAGAACGTTGCTGTGGTAGCGCTCGGGCGCCATGTT
AGGACGAAGGGGAAGGAGGAGAAGCGCTTAAAGCGGCGGGAGCGGTGCGGGAGAGGGGT
>EP74373 (+) Hs PAPOLA P2+; range -499 to 100.
ACTCATCGAGTCTGTTCTAAGCGCCGCGCTGGGGGGTACATACGGTGACAGCGTGGGTGC
CTCACCCCTTGGCAGCGCTCCAGGGACGCTGCTCCGGGAAAGAGCAGCCGCCGCGACCT
CAGGCGGCGGGAAAGGTGGGACCTCACAATGCGCCGGAAGCGGTGCCTCGTGGCTTGGGA
TCTCTCCGGTTCTTCTTTCGCGCGTCCACGCCGACTGCCACGAGGGCGTCCCCGCC
GAGGGACAACCTCACGCCCGGGGCTCCCTGAGCGTTCCCTTCCACCATCTGACACCCAC
TGCTAAGTGTGAGAGGACCCAGGGGGTAATTGCCGGGCGCAGGCGGCCTTAGGAACTCC
GCTTCCCGTGAGGCTTCGCGGCGGACGGCGCTGGTGCGCAGGCGCACGCACGGCGTGC
GGTGGCGTCAGCAGTTCTAGAACGTTGCTGTGGTAGCGCTCGGGCGCCATGTTAGGACGA
AGGGGAAGGAGGAGAAGCGCTTAAAGCGGCGGGAGCGGTGCGGGAGAGGGGTTGGACCA
GGGCTGAGGCGAGGCCCCCTCCCTCCCGCCTCAGTGATCATGCCAGGGCGGCAGCG
>EP74374 (+) Hs MRPL16; range -499 to 100.
ATATTGTTCACTTCACTGAGATCTCTGGAATCACAGACTGTGCTCAAATCTGATGGTACT
GTTTTCTGTTGTATGACCCAGAACAGTTAAATTTATTTACCCTCAGGATGGAATCTGC
AAAATAAGTATAATGACTTATCTACAGATTCTTGGCAGGACTAACGAATGAGGTACTA
AATGACACATTGCAATTGCCCTATACATGTTAAACCATTTGCTAAATCTGGTATTCTCTA
ATGTCTTTGAGGGGTCCCTAGAAAATCATCTCAAAGGCTGTGAATCGTAAGGGACCACC
TTGCTAAGCAACCGGCAGGCACTAACAGTTGTACTCCGAGAAAAATAAATAAAATAAAC
AAAAGACTCCCCGCCCGCCGCCCTCTTCTTGGGGAAAGACTGGAGATTGGAAGGAGA
ACCTAGAGAGCCAACAGGGCCCTGGGCGTGGTGGGCGGACGGCGCCTTTGACCGCAG
GAACTCAACCTCCCCGGAACCTCAACCCCGTGCCTCGAGTTTCTTTCGCTTCCGTGGG
ACTCTGCGGAGTGGACCCGAGTGAACACAACCTCCGGCCCCACTGAGCGGTGTCCTGAGC
>EP74375 (+) Hs SAS; range -499 to 100.
GGGCTAAATAAGCTCAATATGTGGCTCCTTTGGGTGTTCCCGAGCGTGACGCAATAACAA
AACAATGGCGTCATCGTGAGGTCACTGCAGAACAGGGGGAAGGGGGTGGGGAAGGGCCCT
CCTTCTACGGGCGGAGCCCTTTTGCCAGCTCTCAGAGCGGCCCTTACCGCCCTCC
CGCGTCTCCCTTACCTAAGTTCTCCAGAGCGGTCTCCCTGGGAATTAGCCCTCTCC
TAACCTCGACACAGAAAGCTCAGCTTCTCAACCTAAGCTTTTGGAGTTTAGGCTGTAGTC
TCTAAGAGAGTCTCTAGAAACCTGCCCTAGTTTAAAGTTTGGCTTAAGCTGAAGAAACAA
AAGGAGAGGGGACAGAAGGCGGGTGGTGACGTAATCGGGGTTGATTGGCATGCAGGCGCT

GGACGTCCAGGATTAGCCACGCATTTTCGCCAATCCAGAGGCAGGGGAGGGACGGTGCAGG
CGCAGAGTATTGGGTTTGGCTGGCCTCGATTTAAAGAGACAGAAGCTGTCGGGGTCCTGG
AAGACGGTCCCCAATACCCTCCCCCAAGTCTTGGGACCACTTGGGTCCCCAGAGCTGG
>EP74376 (+) Hs HEXB; range -499 to 100.
CACTGCAACCTCCGCTCCCGGGTTCAAGAGATTCTCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGCT
GGGACTACAGGCACCCGCCATCATGCTCGGCTAATTTTTGTATTTTTGTAGAGTCGGGGT
TTCACCAATTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCCTGACCTCAGGTGATCCGCCGCCCTCGG
CCTCCCAAAGTGCTGGGGCTACAGGCGTGAGCCACCACGTACGGCCAGCACCGGGCATT
TTCTTACTTTAGCCATCCCGTGTGTGAGGTTGCTGTCTGGGCTCTGCTCTACCCGAGGG
CACCCCTGGAGGAAATTCTCGAGGTGACCTGGACAGGGCGGGCTGGGCGAGGACGCTCCC
GGGGCCTGGAGGCGGAGTCGGGGGCGGGCGCGCGAGTCATCTGACTCGGTGACTCACCC
GCGGCCGCGCTTCTCTGATCCGGGCGGGCGGGAAGTCGGGTCCCAGAGGCTCCGGCTCG
GCAGACCGGGCGGAAAGCAGCCGAGCGGCCATGGAGCTGTGCGGGCTGGGGCTGCCCGG
CCGCCATGTGCTGGCGTGCTGTTGGCGACACTGTGGCGGCGATGTTGGCGCTGCTG
>EP74377 (+) Hs NDUFV2; range -499 to 100.
TATCTCTAATGCAAAAGATTGGGAACCAAGACATTTGGTGTCTATGGCTAGCACACTGGA
TAGCAGCCCTCTGTGTCTTGAATTCGTAACATGTAGAATAAGATTTATAGTGGGTTGCAA
CCCGACTTTATTTTTTAACCAACGCAATATAAGAGGAGGTGGCTAATCCTCACAAGGCTC
TCCATGAGGGAAGCTCACCCCTATAAATCCAGGCGGGCGCTTCGTTACCCAGGAGCCCAA
GGTGCAGCTCCGGGACGCTTCTTTTCAAGGCCGGGACCCCTGCAGCGGCCGTAGGACAC
CTCCCTTTCCGAGCAGGACTGGTCCCCGCCCTCCCCGGGAAGTCTCCGCCACAGGG
CCCCAGCAGCCCCGCGCGCCCTCGCTCCCTCCGTCAGCCCCGCCCTCGGCGAAGGG
AGCGGCGTGCCGTCCGGTTCGCTAGGCCTGGGGTGGGAGCGCGCACGCTGTGCGCCCT
GGGCGGCTCGGGATTCTCGCTGGCGCGGCTGGGGAAGGTGAACAGTGTGGCCGCCAT
GTTCTTCTCCGCGGCGCTCCGGGCCGGGCGGCTGGCCTACCGCCCACTGGGTAAGGAG
>EP74378 (+) Hs CCNH; range -499 to 100.
ACTGGTCTCCAACTCTTCTGAAAAGGGCTAGGAATGCTTCTGCCTGAAGATCTTACCT
ATTCTTTCTGGGCCCCGTGATCTCCCTACATGATTGATCAACCTACTATTTCAACTCTTT
CAAGCCTTTTCACAATGTCAACTTCAGTGAGGCCTCTATTTAAAAATGAGCACCTACG
AAATCCTTTCTCATTTCTGATTATCCCTGTGAATTTACATCTGCCTACTCCGTACCT
CAGTTTATGCCCTTGAACACTCTTGCCGGGCGCTTCTCCTTTAAATCTTGCTGGAAGG
GGCGGAGCTATGTCCCAGACTCACCGAGAGGAGCGTTCTTAGGCTCCGCCCACTTACGT
CTCAGTGGGCGCCCTAACGAACCCGGGATACGGTCTGTTCTAGTCCGCTCCGGAATGC
AACTGCGTACGGGCTGGCCGCTAATCGTGACGACAGCGCGCCAGCGCGGCTAGCCGGA
CGCCCTAGGCTTCCGCGAGATCTTGGTGGGGGTACGGGTGTTTTACGCCAGGACGCTGA
TGCCTTTGGGTCTCGTCTGCAGACCCTCTGGACCTGGTCACGATTCCATAATGTACCAC
>EP74379 (+) Hs GMFG; range -499 to 100.
AACCTCTGCTGCTCGGATTCAAGCAATTCTTGTGCTCAGACTCCCGAGTAGCTGGGATC
ACAGGCGTGACCACCATGCCAGGCTAATATTTTGTATTTTGTAGTAGAGATGGGGTTTTG
CCATGTTGGTCAGGCTGGTCTCAACTCCTGACCTCAGGTGATCCGCCGCCCTCGGCCTC
CCAAAGTGCTGGCATTACAGGTGTGAGCCACCATGCCCGGCCGATGTGAAGCTATTTATA
TCCTCACCACAATCTCAAATCAGAGGGGTGAAGTTACTTAGCTAGGGTCACACAGCAAGG
AAGCTTTGGAACCTGGTCTGAGCGATTTCTGACAGGTCTGGCAGATGAGGGGAAGGA
AGGAGGGGGAGGAGCCCTCTGTGACAGTTGTCCAGAAAGGGCATAAACAGGATGTGGTG
TTGGATGAAACCTTCTCTACTGCACAGCCCGCCCCCTACAGCCCCGGTCCCCACGCC
TAGAAGACAGCGGAATAAGAAAAGAAGAGGCTGTGGACAGAACATCATGGTCAGGGG
CCAGGGGTTCTATGGGAAGAGCTGGGGCTGGGGTGGGGCTGGGGCTTGGAGGACACCTG
>EP74380 (+) Hs ITGB4BP; range -499 to 100.
CTCGGTCTGGCCGCACTTCTGCCTCTGGAACCTCTCCATGGGTAGCCTCTTCTAGTCC
ACCCGTCTTTCAGCCCTCATCTATTCTGTCAGCACTCCACTCCCCTGCTGGGCTCCAGAC
ATGGACTTCTGTCCCTCAAGGCACAGCTGGACTCATCCCTTTCCCCAAACCTGCCCTTCC
TCCGGCTTCAATTTCCATCAATACCTCCATCATCAACCCTTCCGCGAGACACTCTGGCCC
CTCCTCTCCCTCATGCCTCACAACCGACCAGCCGGAGGTCTAGGTGATGACAGCTCCTA
AAAAGCTCCTGAATGAATAATGAATGAATGAACGCGAGCAGGCTAGGCGTGGGGCCAGGC
GGGGTCGCGCCAGACCGCTCGCAGCATAGAGTCCGCCGAGGCGGAGGTAGAGGGGC
TGGATGCGTGGCGGGGAGCGCGGGCTCTCCCGGAAGTCTCCTGGACGGAAGTGGAAC
GGAAACCTTTTTAGGGAGTCAAGGTACAGTCGCCGCGTGGGAGCTTGTACTGGTTAC
TTGGTAAGCTGGTGTGAGGGGAACCTGGGAGGGTCAGCTCCGGTCTGGGTGGGAGGGG
>EP74381 (+) Hs BZW2 P1; range -499 to 100.
AACGCCAGCCGCAATGAGGCAACTTGAGACCAAGACACTGAGTAGCCAACCGCGAAACG
CTTCGCTTCTCTCTCCCTCCCGCGGGCTGGCGGACAGCGGGCGAGCTCGGGCGAGCCAG
GCGGACGGTCTCCGAGGCCCTGCGGCGGTACCGCCTGCCGCTGTCAATTGGCCCTGCC
GAGGAGGAGGAGCCGAGGAGCGGTAGCGAGAGATCGCCATTGGAGCAACCTGGGAGGA
CAAAACCAATGCGAAAGCTGGAGGGGGGAATTAATTCCTCTACACGTTCCGCTCCC
CTATCCTGTCCGGTTCAAATATTTGCCACATGTAATATTGAAAATTCTACAGCTGGCAG

TTATGTGCTCAGCGACGGCTTTCTGGGGCATGCAGAGGCCCCAGGTTGTCGCCGTACCCC
CACCATTCCCCCGGAGTGGCGCAGTCTGGGCGGGGGCGTCTAGGAGACGGGGGCGTA
CGGGAGGCGGGGCTGCGCCGGTTCCGTGTGTCTATGTCAATGTGTCTGTCTTCACTCC
TCCATTGTCTGCCGCCACTGCTGCTGCTGCTGCTGCCGCTGCTGCTGCACGAATCGC
>EP74382 (+) Hs BZW2 P2+; range -499 to 100.

GAAACGCTTCGTTCTCTCTCCCTCCCGGGGCTGGCGGACAGCGGGCGAGCTCGGGCG
AGCCAGGCGGACGGTCTCCGACGGCCCTGCGGCGGTACCGCCTGCCGCTGTATTGGC
CCTGCCGAGGAGGAGGAGCCGACGAGGCGGTAGCGAGAGATCGCCATTGGAGCAACCTG
GGAGGACAAAACCAATGCAGAAAGCTGGAGGGGGGAATTAATTCCTCTACACGTTCC
GCTCCCCTATCTGTCCGGTTCAAATATTTGCCACATGTAATATTGAAAATTCTACAGC
TGGCAGTTATGTGCTCAGCGACGGCTTTCTGGGGCATGCAGAGGCCCCAGGTTGTCGCCG
TACCCCCACCATTCCCCCGGAGTGGCGCAGTCTGGGCGGGGGCGGTCTAGGAGACGGGG
GCGGTACGGGAGGCGGGGCTGCGCCGGGTCCGTGTGTCTATGTCAATGTGTCTGTCTT
CACTCCTCCATTGTCTGCCGCCACTGCTGCTGCTGCTGCTGCCGCTGCTGCTGCACG
AATCGCCGACGCCCCAGCCTTGCGCGTCGTCGTACCTCCTCGGACAGGTGAGAAGCAG
>EP74383 (+) Hs TBL2; range -499 to 100.

AACAATTATCAGTGAGTTCTTCAGGAGGAGCGTGAGCAGTGATCGAAATCCCGCCTTC
CTCCGCCCTCCGACGCCCTGCAATCTCAACCGCCAGGCGACCCGCCCTCGAAACGCACC
AAGGGTCGAGCCCTGCCCCTCGAGATGTTCTACTTCCAGGCCCCGCCCTCGAGACACTC
TACCTCCGGTTCTGCCCCTCGAGACGCTCTAACAACCCAGCCCCGCCCTCGAGACGCG
CTAACTCCAGACTCTGCCTCTCGAGGCGCTCTAATAACTAGGCTCGGCGGGTGGAGATGC
TCTAACTCCAGGCCCGCCCCCTCGAGCGCCACAACAGCCGGGCCCCACCCCTTGAGGTGC
TTTAACGGCCAGGCCCGCCCTGAAGGCGTTGTAACAACAGGCTCCGCCCCAGGCGCT
CTAACGGCCAGGCCAGCGCTTGAGGCTCCCAACGGCCAGGCCGCGCCCCGCGTGCG
TGCGCGGCGCCGAGAGCCGTGCGGGCGCCGCGTACTACTAGCTGAGGTGGCAGTGGT
TCCACCAACATGGAGCTCTCGCAGATGTGCGAGCTCATGGGGCTGTGCGTGTGCTTGGG
>EP74384 (+) Hs NDUFS3; range -499 to 100.

TTCCCCGCTCGCTCGAAAGACTCCCTATGGCTGCGTCCCAGAACTTGAGTCCATCCGCCC
CCAGGCCGGGGCACTGGGAGGCCCATCACCTGTGCAATGTCCCGCTCCACCTTGAGTC
GTCTTGAAACGGTCGCCAGGAAACCGTTCTTCCGCTCAGGCCCGCCCGCCCTCGTCA
AAAGCTTGGCTCAGAGAGCGGGGAGGGGTGTGTAGCGTAGAACCCAAACGCCCCCCCC
CTCCCCTCCTCTACCCGCTGGTTCTTCAGCGTCTCTCGCTTCTCTCTAGGCTCTGCCA
CAAGGAGCTAGGACCACTCACCTACGATTTCCCTACCTGCCTGTCTCGCTTTCTCAC
CTGCGTTCCCTCCTTTATCCCGAGCCCGGAACCTCCGCTTCCGCTCCACGTCCGCCC
GGAAGAAGATCTGCTGCACACTTCCGTTTCCGGTCCGTGCCCTTGGGGCTCCGTGTCTG
CTGTCTTTCGTCGCTGCCTAGTCTGCATCTGAGTAACATGGCGGCGGCGGGTAGCC
AGGCTGTGGTGGCGGGGATCTTGGGGGCTCGGCGTGACCAGGGGTGAGCACGGGCAG
>EP74385 (+) Hs SNRPD2; range -499 to 100.

GAACAGCGTTTGATCATGGAAATATTCGATCTCCGGGCGCAGGTCCATGCCCCCTCCG
GATGTAGGCAGGGGATTGGTGGCGCAGGGTCGAAAGATCAGTAGATACGTACGTAAACGC
GTCCCAGAGGGAAGAGGGGCGGTGCCTGTCTCCGAAGCAGGAGCGGATTGGCTTACGG
AGGCCGCGCCCCGAAGTCACGGCCGGCGGCATTTGGAATAGCTTGTCAATTTCCCTCC
TTCAACCTGTACCATTCTTCAAGAAACGGTTTGAATCAGACTGCCTTTCTTTTGTCTTC
ATTGTCATAAACATCTGCCCCGTGTGGTTCTGACTGGCCGCAACCCCTACCCGAAGCT
TTTATTCCATCATTGTGCACCGTTGGTGGGAATGCTGTGGCAACAGGCCACGCCTCCAC
TTACTGGTTGGCTTTGCGCAGGCGCCAACGGAAGTGGTTCGAGGAAGAGGAAGTCCCGC
CTCTCTCTCTCAGGCAGCAGCAACGCGGAGGAAACGGGAGTGAACGGAGAGCGTAGTGA
CCATCATGTGAGGCCGGGTAGGCTTAGGCGGCGGGAATGAGTTGAGGGTGGATATTG
>EP74386 (+) Hs CLDN4; range -499 to 100.

TGCCAGTGATGAAACTGGTAAGGACAAGAAATGACAATAATCAAGGTGGGGTTTCTCGTG
GACGTTTCCAAGACTTCATTCTCAAATTCTCTCCCTCAGGGTCCCCACCCTGTCTCCCA
CCTAAGCCTGGAATGAGGGGGCACTGGCCTGTGGGACCCTGGTCTTCAGGCTCCCAAAC
CTGGCTGGGTCTGGTTGCCCCCTGGCCTTAACCTGTGAACATCCAGCTGTCCCTGGGCTG
TGATTCAGTGTCTGTCTCCGGGTGACCTCAGCATGGGCTTTGAGGAAGGGGAGAGAGTA
GTTTCTTCTGAGACTGGATAGTACTCAGGGACCCGGGGCTGGGGCTCAAAGTGCCTT
TGTTGGCCTGGGCTCAGGAATCCAGAGAACTGGTCAGGAGGAGGCCCCAGTGACAAAAA
CCCCCTCCCTCTGCCCCCGCCCTCTGCCAGAGCCATATAACTGCTCAACCTGTCCCCGAG
AGAGAGTGCCCTGGCAGCTGTGCGCTGGAAGGAACCTGGTCTGCTCACACTTGCTGGCTTG
CGCATCAGGACTGGCTTTATCTCCTGACTCACGGTGCAAAGGTGCACTCTGCGAACGTTA
>EP74387 (+) Hs TAX1BP1; range -499 to 100.

AAAAAGCACACGACTGGGCCAGGAGTTCAGAGACAGTCTTGGTGCTCAGGGGTTTGAGC
CCTAGCCGTGTGGTCACTCCCTTGCTTCTTGCTATTTCTTATCTATAAAATGAGTGG
GCTAGTTTAGGCCGACTGAGACGACAGGGATACGGTACTGTCCATGGACCTCTGAGC
TGCCCTTTCCACATCGCTGGTGAGTTACTTAAACCTCCTGTGTGTTTCCCCCTTTCTGAT
GTCAAATAATAACATAAAATCAGAAATGTAATCCAGACGCATTGTTTTGCTGCGATTAA

GTTGAACGAAAAATAGCAAGGACGAAGTAAGGAGAGAGCCAGCCTACCCGCGGGATGAGGC
GTCCCGCGGGCGAGTGGGCTGGGGGCGTGTCTGTCGCGGAGGGGAGCGGCGAACCAGGCAG
GAGGCGGAAGAGACCGCCCCGTGGGCGGAAGTGACGCAAGGCCTACTGTCGGCTGGGAGG
GGAGGTGTAGCCGGTCTTTGGGGGTAGGCGGTAGTGGCGGAAGAGGTTGCGCGGCTGATG
GCGGATCAGGATCGGAAGCCTGCGTAACCTTTCTCCCTTGATCCGGGAGTCTTTCCACTGG
>EP74388 (+) Hs MAT2B; range -499 to 100.

CAAATGGCTCAGACGCCAACCTTTTATTTTATTCTTGTCTTTTTCTAAATCTTTCAA
AACCCCCACCTAGAGCTCTAGAGATGTGTCCATTATGCTCTACCCACCTCCGCCCCCGCC
CCCATGACTTTAAAATGCTTTTTATTCCACTTTTTATATTGCTCAGTCGATCCTCATGCA
CTGCGCAGTCTGCAAACTTGAAGCTCAAGGCGATCCACTTCAATCTTTTCCCGAGTCAAG
AAAAAAGGAAAAAAGTAGAATAAAAAGCACTCAAATAAAATCTCCGAAACAAAACCTG
AATTCAGTGCCTAAGGTCAGGGCCTTTCTTTTGTGTGTCGCTTTAAGCATCGGCGCGTGG
GCTGGGGGACAGACCGCGCTACCCGCCCTCTTTCTGGGGCGTCGGCGGAGCGTGGCCAAT
CAACGGGCGCGGCTATGGCAGCGGAAGCCGGAAGCGGCGAGCGGGTCTGTTCTGGGCCA
GGGGAGGCGGGCCGAGGGCGTCTGAGCTGAGGCCGCGTCGATCCTGGGTTGGAGGAGGT
GGCGGCCGCTGAGGCTGCGGCGTGAAGACGGCGGCATGGTGGGCGGGAGAAAGAGCTC
>EP74389 (+) Hs BAT1; range -499 to 100.

GCTGTTGCTGCCGCATACGCGCTCTCCCTGTTTAGGTAAGCTTTGGCCTTCGCTACAA
CCGTTTCCATCTGCGCTTCTCCGCACCCATCCCGTCACATGGGTTCTGATACCTTTTC
ACAGGCGATGGTCTGGTCGCTGGGGCCTAGTTGGTTCGCTATTTCTTAGCTTGCATCCC
TTTCGAGAGCAAAGAGCTCTGGGGGAAGGAAGGAAGCTAAGGGGGACCCAATCCAAG
ATGGTGTCTCGGCGCCATTGTGTTCTGTTTCTCCCTTCTTCCAATGGGTTCTTCTCAT
ATTGGAGGCCTCAGCATCAATGAGAGGCGCGCTCGGCGTCCCTTGGTCTTGGTATTTGC
GGAGGGCGGGGCTCTTCTACCTTCTTGTCTTTCTTGAGCTCTTCTCGGCCCTCGGT
GGGACTGGGAGGAGGAGCTGGTTTCTGGGCCAGTTGGATTTTTCTCACCTTGACTTGCC
CAACTTAATTTGGAGTGCCTTCCAAGTGTTACGATACGATTGGTGTCAATTGTATGTTTC
TCCAAAAGGAGTCTCACCTTCGTAGCGTAACAGTGATGTGAGACCACTTGGTAAAGATCC
>EP74390 (+) Hs GGP51; range -499 to 100.

CCGGGCAAAGGTCCAGGCGGTGGCCGTGGCGGCGGCAAGATGAAGCTCAAGAGTCTCCCT
CCGCTTCGGCGACCGAGCTCCTCACTCCGACTCGACTGACGGGCAACATCGCTTCCCC
CCCACCGACTCTAGGTTCCCCCCTTTCTCCCTCCCTAGATTTTTTTTCCCCCCTCC
CCTACCTCTTTCCCGGATGGCCTCTTAGACGACCTTGGATTGGTTAAAGTTCTTTAGAAC
CCGCTTACACTGTTCTCTATTGCTCCCTGGATACAAACAACGACGCCATTTTCCACCA
GTTCTATGGAAACAGAAAGTTACGCCTCAAGGCTTTCTGGGAAATAAAGTCCATACTCTG
GGGCCAACGCGCAAATCCTCGTCCGCGAGAAGTGAAGGCCCGCAATGCCCTGCGCCTGC
GTGGACCGGTGCGGGGGCGGGGGGAGGTGAAAGGGCGGGGCAACAAAGCAGTAGGGAG
GCGGCAACGACGCTGCGCAGTGTGACCGGGATGGCGCATTTTCTTGACCAACTAATGC
GGTGTGCTGCGGCTGAGGAGGGCGGAGATTCTGTGGTGAAATAGTGGGAAGGATTCA
>EP74391 (+) Hs MRPL51; range -499 to 100.

TGGCTGGGCATTAGTCACCCCCAGGAAAGGAGGCAAGTCCACGCTGGGAGTTAGAAGGC
ATCGCCTCTAATCCAGTTTCGCCATCTCCTCTGCTAAGTGACGTCCAGCAAGTCACTTC
ACTTTTCAGGACCTCAAATCTCCTCCCCAGTAGTAAAATAGGGGTAATAAAACAGCTACA
GCGGAAGACTGTTGTGAGGCACAGAGAAAGGGCTTGGTCATTGGAAGCGGGTTCCAGGTT
CTCAACCTTCATTTCTTCACGGTTGAAGGACGCCAAAGAAAGCGGAAAGGGTGAATTTT
CTTGAAATCTCAGTTTTGGGGAATCTTAGCGACGAGTCGCGGACCTCAGCTTGTCCGGCG
CTCCAAAACCTCCGGCAGGCGGACCGGAAGCACTGAGGCGGGAAAGGTTGGTAGAGGCCCC
TCCTGCCGGAACCCGGGGGGCGGGGCTCGTGGCTGTTGCGGATGGGGCGTAGGTGGGCGG
TGCGCCCACAGCTGCCTGGGTAAAGGCCAAGATGGCTGTCTTCGCCTTAGTACTCGTGTG
AAGTTGGCGGGGACGGTTCCTGTCTCTTCTTGGGCTTATTTGGTGTGCTGTTGAAGGGG
>EP74392 (+) Hs RAB6A; range -499 to 100.

AATTTTAAGGCTATAGGACCCACCCACACTTTTTGGGGGATCATATTCCACCTTTGTCC
CGGCCCCGCCTCCGCCCCACCCTTCTCCCCCTCCCTTTCTTTCTTCCCTCCCTCAG
GCTGAGAGGCGCCACACTTCTATGGCCGCCACAGTGCTCCGCTTTCACAGCTCGAGGG
CTGCGCGCGCTCTACGCTGCCACCTCACTCGCGTGTGGGCTCGCCCTCAGCCCCCTCCG
ATTGGCTCATTATGTAAGTGACGTAAGGGCTCCAGCCTCCCACTAACTTATCCCTGGCTT
GCCCGCCTCCTCTGGCTTCTTTTACGCCAGTGGAACCTAACCTGCCCGCTCGCCGC
CGTGCGGGAGGAGCCGGTAGAGCTGTCCAAACCAGGAAGGCGATGGCGATGGCGGTGGCG
CGCACGCATGCACGCACGCACGCCAGCGGCCGGCGGGGCCGAGGCTCGCGCCCGG
GCTCGCCCCGCGCCGCTCCAGAGGCTCGCGCACTCAGCAGGTTGGGCTGCGGCGGGCGG
GCAGCTGTGGAAGCTCAGGCGCTGCGCGTGAGAGGTCCAGATACGTCTGCGGTTCCGGC
>EP74393 (+) Hs GNB2L1; range -499 to 100.

CCTCGTGAGGGGAGAACACCTCCGGAAGCACAGTTTTAAAGTTTATTTTAACTTTTA
ATACTCTACTTTTTAAATTGCCCATCGTTACCCACGATAGTGAAATGAAAATTAAGCTCC
CCTGGGTTGCCCGTCAACCCTCCCCGCACCAAGTGGAACAGGCGGAGCTCGAGCTATG
CCACATAGGGGCGGGGAAGCAGCCCCGGCGTCTCATGGGAATGTGCCGTACACTTACC

TCTTTTCGCTTCTCGCTCTACATCATCCCTGAGAAGCCTTTTTAAACACTTGAATGTGCTT
GTTTCAGAGTGTATTTGTAAAGTGCAGTCAGATTTTGTGTACGGAAGACGGGACTGTGA
TGCCTTGCAATTTCCCTCTGCCTTTTGATTACATGGCGCCGCATCTTGAGCAGAAATG
TATCATGGGGCTCGCCATTTTGCATGGTCGAGCGGGTATTTCCGGTTCGGCGGGGGGCT
TTTCTCTCTCTTTTCACTGCAAGGCGGCGCAGGAGAGGTTGTGGTGCTAGTTTCTCTA
AGCCATCCAGTGCCATCTCTGCTGTCAGCGACACACGCTCTCGCCGCCCATGACTG
>EP74394 (+) Hs TNRC5; range -499 to 100.

TGAAGGCTGGGGACAGTTTGAGTCGTCCTGCTTGACCTTAAGCGCCTACAAGAGTGCCC
GGCTATAACAACCACAATAACAAATAAAAAATTTAAAAACAGATGTTCAAGTAAGGACTTG
CGGCATTAGGACCCAGGAGGGAAGTGACGTTTCGAGGAGCGGAGAAAGCCGCGAAGACG
GCCTTCCCCACATCTTCCAGCACCTGCGCGCCTGAATCCGTCCCACCCAGGCCAGACGC
AGGCTTCTTCTCGGGTCTTGGTCCTGCATCCTCTCTCTCCAGAGCCTCCGTTAGGGGGT
GGGAAAGGACTTTGCCATAGGTCGTCGAGGCCACCATCTGCTCTTACTGGCCAAGGGC
GTAAAAAGATAGTCTTCCCATTAGCTAGAGAGCAAACCCAGAAAGCCTATTGGCTGCGC
CGTCCGCGGGCCTTGGTCCGCTTTGAAGGCGGGCTGCGGCTGCGAGAGGAGGGCGGGCGG
GAGGCTAGCTGTTGTGTCGTTGCTCGGAGGCACGTGTGCACTCCGGAAGCGGCGAGGG
GAAACTGCTCCGCGCGCGCGGGAGGAGGAACGCCCGTCTTTAGGGTCCGGGCC
>EP74395 (+) Hs MCM2; range -499 to 100.

CCCGTGCCACCATGCCCACTAATTTTGTATTTTGTAGTAAAGACTGGGTTTACCATGT
TAGTCAGGCTGGTCTCGAAGCTCTGAGCTTGATCCGCCACCTCGGCTTCCCAAAGTG
CTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCCCGGCTCTGTTGTCTTGTAGCAAAATGGCC
CTGGTGTGACCGAGGTACGCGAGCCAGCAAGTGTGTCGGGTCCCCTGGAGCCTCAGCTT
CTACCTCCGCTCCAGCTCCCACCACAGCGCAGGCGAGCGCACGCGCACAGCGCCGGGCCG
CACACCTCCGGGCTCTGGGCGGAGCGCCTCGGGCGTTGTAGGCGGGACCGGACCCTCTGG
CCCGCCCTCCGTGTCCTTCTGGTCGCCAGTGGACGCCGACGTATGACGTGCGGTTCC
GTAGGGCTCTTCCCGGGCTTTGGTGGGTACGCTGAACCACTTTTCGCGCGAAACCTGGTT
GTTGCTGTAGTGGCGGAGAGGATCGTGGTACTGCTATGGCGGTGAGCGCGCTGGCGCGTG
GCGGGCGGGCGCGGGGACATGGGTGCGGAGGCTGCGCGCTTCCGTACTCTGGCCCCGG
>EP74396 (+) Hs IMPA2; range -499 to 100.

CTCAGAGGAGTTGGAGCCGCTCTGCGCGCTGCGGGACGGGACGGCGGAGCAGGGTTG
GGTCCGCCTCGAGCGGGGAGGGTGATGCTGCACCACAGGGGCGGGGCTGGAGGTAAGCG
CGGAGCGGAGAGGGACAGGCTCGGCACTGATTTGTGTTCAAGGCTAGCCAGAGGGGCG
GGGCCAGGTACGGGGCGCAGCCGGGAGCGGGAGGGGCGGTGACAGACGGGGCCGGGCACG
GCGCGGGAAGAGGCCAGGAGCAGCAACGGGTGCGGGGCGGGGCGGGAGCGTCAAGGGGC
GGGGAAGAGGGGGAATGGGCGGGGCCAGCTCTGCGAGGGGCGAGGTGGGGAATGCAGA
GCGGGGCGGACGCGGGGAGCAGGGAGCTGGGCGGGGAGCGGGGCGGGGAGCTGGGCTGGG
CTCGGCACGGGGCGGGGCGGAGGGTGGGGAGCGGAAAGCAGGACGCACGGCTCCCGCGGC
CCGCTGGCTGCCCTTCCCGCCAGCGCAGGTGTGGGACGGGCGGCGGACTAGGCACAGAGC
TGCGGGAGCAGGCACAGGGAGTGTGGAGCCTGGCGGGGACGGCGGGATCCGGTGGGAG
>EP74397 (+) Hs FUCA1; range -499 to 100.

TCAAGCGATCCCGAACCTCCACCTCAGCCTCTCGAGTAGCTGGGACTCCAGACGTGCAC
CACTACGCCAGGCTCATTTTGTATTTTTATAGAGACAGGCTAGTCTCCAACCTTGTGG
GCTCAGAGCGATCTCCCGCCTCGACTTCCGAAAGTGTTAGGATTACAGGCGTGAGCCAC
TGCGTCCGGCTCAATGGACTCCTTCTTAAATGTGAGTTCTCCGCACACACTGGGCCTTGC
TCACCTCCACGATTTAACCTCGCAGTTAAGTCCCTTTTCAAGGTTTTTATTCGTCCTTCA
GCGAAGCGCTGTCAACGCCTCCCTGCGTCTTTCCCTTCTTGAGCACAGAGGGCGCTCCT
CCGACCCGAGGAGGAAGCGACTCGGGCCAACTGTCCAGGTTGTCCACCCCTTTTTCTT
TCCGGGCCAATCGTTAGTCAGAGTGGGCGGAGCCGCCCGGGGACCTGCGCGTTAAGAG
TGGGCGCGCTGCTGAGGGGTAGCGATGCGGGCTCCGGGGATGAGGTGCGGGCGGGCGGG
TCCCGCGCTGTTGCTGCTGCTGCTCTTCTCGGAGCGGCGGAGTCGGTGCCTCGGGCCA
>EP74398 (+) Hs PELO P1; range -499 to 100.

GGAGCCCAGACAGAACGTGACCAGTAGTTCTCAGAAACCGCTTCTAAATACCAGCTCCAA
CAGGCTTGTAGCGTCCGAGTGCGGATAAGGCAAGAGCAAAAACGAGCATAGTTTGGGCCG
TTGGGGCCAAATCTGCACTTCTGAGAGCTACTTTTACTGCTAAGCTTTGAAATTGGATTT
ACCCAGAGGGAAGCGTTGCACTGGCAGCCGAGGCAGGTAAGTATTTGCACTCAC
ACACTCCCCGATTCTTACAGACAGGGATGGAAGAGAAAACCTTAGGAAGTTGAAGTTG
GCATTAATAAAGGACTCGCCACCACTCTGTGCACCTTCTTGAGGGAGTTTATTTCGTCC
GGAGCGCCTCACAGCTTAGTGCCTGCGCACGCGCAACTGCGGGCCCGCCTCTCCTTT
GGGGACGGGAGAGCTGCGTGGGTGCGGGACGGGGGCTGCGCATGCGCCTTCATTTCTG
CAGCCCGCTGTTGCGTGTGCCAGCGGGAAGTGTGTAGGGGTAGATTTTTCGTGCACTGT
TCCCCGAGCCTGTAGACGACGCGCGCGGAGACTGAGAGAGGAAAGGATAGAGGAAGT
>EP74399 (+) Hs PELO P2+; range -499 to 100.

GCAAGAGCAAAAACGAGCATAGTTTGGGCCGTTGGGGCCAAATCTGCACTTCTGAGAGCT
ACTTTTACTGCTAAGCTTTGAAATTGGATTACCCAGAGGGAAGCGTTGCACTGGCAGCC
GCAGGCAGGTAAGTATTTGCACTCACACACTCCCCGGATTCTTACAGACAGGGA

TGGAAGAGAAAACTTAGGAAGTTGAAGTTTGGCATTAAAAATAAAGGACTCGCCACCCTC
TGTGCACCTTCTTGAGGGAGTTTCATTTCGTCGGAGCGCCTCACAGCTTAGTGCGCCTGCG
CACGCGGAACTGCGGCCCGCCTCTCCTTTGGGGACGGGAGACGTGCGTCGGGTGCGGG
GACGGGGGCTGCGCATGCGCCTTCATTTCTGTCAGCCGCTGTTGCGTGCTGCCAGCGGGA
ACTGTGTAGGGGTAGATTTTCGCTGCAGTGTTCCTCGAGCCTGTTAGACGCAGCGCGCCG
GGAGACTGAGAGAGGAAAGGATAGAGGAAGTGCTGCCCTAGGCTGCATGAGTCGAAGCAA
GCGTGTTCCTTCCCGCCAGGCAAGTGCCCTAGAAACCGGGCCCCGCCCTTCTGGC
>EP74400 (+) Hs TIMP1; range -499 to 100.

TATCTCCCTCCACTGCTGCTACTTAATTTGTTTCTCTCTGCCACCCCTCACCAGCATGT
CAGACATACAAAACAAGGGATTTTTGTGTGCTTGGCACACAGTAGATGCACAATAAATGT
TGAAGGGCTGAACTAATTTGGGTTTGAATCATAGGGAGCTTGGGGGATGTGGGTGATTGG
ATAGATTCTGGAGACTTTAGGGGACTGGGCCGGGGGAAATGCGGCCTCTAAGCTCTCCGC
TGAGGCGGCTTGAAGGAATAGTGACTGACGTGGAGGTGGGGGAGGTGGCTGGCCCCGGC
GAGGCCAGGGAGAGGGAGAGGAGGCGGGTGGGAGAGGAGGAGGTGTATCTCTTTCTGT
CGGCCCGCCCTTGGCTTCTGCACTGATGGTGGGTGGATGAGTAATGCATCCAGGAAGCC
TGGAGGCTGTGGTTTCCGCACCCGCTGCCACCCCGCCCTAGCGTGGACATTTATCTCT
CTAGCGCTCAGGCCCTGCCGCATCGCCGAGATCCAGCGCCAGAGAGACACCAGAGGT
AAGCAGGGCCCCGGGTGGCCAGCAGGAGCGGAGCTGGGCTGCAGCTTGGGTGCTGGCC
>EP74401 (+) Hs MRPS23; range -499 to 100.

CGCTGGGCAAGTGACGGCCCCCTCCCGGCCCTTGGTTTTCTTCTGCGTAGTCTGTGACTCT
AAACAACATTAGGCTCAGCCTGGGCCTAGAGCTGGTGACCTCAAATCTCGGCCTTTGTTG
GCTCCCTAGGACTGTAGGCTGCGCTTACCCCTGCTCTGCCCCACTACTTCTCTCCGC
GCGGCCCCACCTTTTCAGAGGAGTTGGCTCAACAAGGCGAGAGAGAGTAAAGCAACCATC
ATGATGAATCCCTCCACAGCTCGGTCAATTTATTACTTCTGTCCGGCTTTGGCTCGCTCC
TGCCCTTTTGGCTCGGCTATCGAGTGCTCCTGCCTGAACCTGGCAAGTAACCTCGGAGCG
CGCCCGTTTCGGCTATCACTTGTCTGCTGCGCCGCTCTCCCGAGGGGCTGCGGTGA
AAGCCCAGCGATCCTTGGCTCGGCCAGCACTTATGCGCCCTTTACCTGGAGCAGCCGCT
TCCGGTTCGGTAGCAGCTAGTCACGCTCGGTACCAGGCGCAGATCATGGCAGGCAGCCG
GCTGGAACCGTAGGGAGCATCTTCTCTCGGTGTGTGCTCCAGCCGTGGTGGGCTGAGG
>EP74402 (+) Hs SNURF; range -499 to 100.

GAACAATGTAGCATGCTTTTAGAGTTAGGGATATTTTCTTTTGAAGGATTTCAAGTCTG
GCGTATTTGCATTGATTGTGGTTATGGCGCATTTAACTTTTCAAACCAGCTTTTTTGTA
CCGCACATAGGAAGACCTGAGGGTGAGTGTAATAGGATTGTTTGGCCAGTGGTGTGTG
CAAAAATTTATTGTAGAACCAGAATATTTCTTTAGTATTTTACACATTTTAAAAAACA
GGTAGACATGTCCATTGATCCAGGTTGCTTATGGTTTCTAGAGGCCCTCTCATTGCA
ACAGTGCTGTGGGGCCCTAGGGGTCCAGTAGCCCCCTCCCCCAGGTCAATTCGGTGAGG
GAGGGAGCTGGGACCCCTGCACTGCGGCAACAAGCACGCCTGCGCGGCCGAGAGGCAG
GCTGGCGCGCATGCTCAGGCGGGGATGTGTGCAAGCCTGCCGCTGCTGCAGCGAGTCTG
GCGCAGAGTGGAGCGGCCCGGAGATGCCTGACGCATCTGTCTGAGGAGCGGTCAGTGA
CGCGATGGAGCGGGCAAGGTCACTGTGCCGTGGCTTCTCTCAAGAGACAGCTGGGGA
>EP74403 (+) Hs RBM7; range -499 to 100.

CCGAGGTCTAGATGAATCGTTTCAGGCCTGGAAACGAGGAAGCCGTCTCCGGAGACCAT
CGCCAACGCTGACGCCCCGCGTCTGAGGTGCGCATGGGAAGAGCGGTAGGCCACCCTGCT
CCTCTGATCACCAGGAGACAGGGACACATTGTTTCAGGGCCATATTCAAACACTGCCCGCA
GTACTTGCCTTACGTCCCTTTGTGAAGGCAGGCCCTTCGCGGCTCCCCAGATCAGTCCAG
CCTGTGTGCGACCCGATGACTAAGCACACAGGAACCCATAACTGAGCCTGCGGAAGAGCC
AGAAGCCGCTTGCCCTTAAACGAGGGGTATCCTGGCGAGCATGCGCAGACCGTCCGCGCA
CGTCGTCGCCGCTGAGAGCAAGCGCAACGGGCGTTTTTCGTTTGTACGCCAGGGAGCGT
GAGGACGTGGGGCTTCCGTGAATGCGAGTGGGTGCGTCGCGCCACGACCTTTTGGCCAGG
TTAGGGAGGGGGCGCAGCTGAGATGGGGGCGCGCGGCGGAAGCGGATCGCACTCTCTT
TGTGGGCAACCTTGAAACGAAAGTGACCGAGGAGCTCTTTTTCAGCTTTTCCACCAGGT
>EP74404 (+) Hs U2AF1; range -499 to 100.

CCCAAATAACCTCTCTACTTATATCAAGTTTGCCTCAGCTTTTTTTTTCTTCTAGGTCGA
CGGTTCCCGCCCCGCAAGGGTGACGGGAAGGGGACGCCCGCACTTCTAGTGCTCCCTTA
GCTGGGGTCGAGCTGAGCGCCCCCACCAGCCCCAGGCGGCTCTGTGGAGAAGCCCCCTC
GGCCCCGGGTTCGGTCTGCACTGCCAGCCCCAGTCCCCGGCGCGCAGGATCCAGCAGGG
CCAGCGCCGGGCGGGCGAGAAAGCGAGAGAGCTAGGGCCGGGCGGGGAGGGCACCGGCAG
GGGGCGCGGGTTCCAGGACCGAAAAGGCGGAGCCTCCACGCGCACTACGTGCTCCCTA
CGCGCATGCGTCCCGCCACGCGCAGGCAGCACCTCGCCTGACTGGGTAGCGCTGCCACG
TCGGGGCGGGGAAGAGCGTCGTCGCGTCCGGGTGACGTCTCCCGAGGGCGTCGGCAGGGT
CGGCGGCGTCGGCAGCAGTGTGACGGCAGCGGCGGGCGGGTGGGAAATGGCGGAGTA
TCTGGCCTCCATCTTGGCACCGAGAAAGACAAGTGAGTGGGAGCCCCCGCCGGGGGTT
>EP74405 (+) Hs MEL; range -499 to 100.
AGACACCCGCCCACTACTGGCGTGCGCCCTCTGCTGTGCGCTAACGGAACCTCCGGGCG
CGCGTGCGCACGCAACCCCAAGCCACGCCCGCCAGGCTGCCGGCGCGCAGCGGTTGGCG

CCGCTCCCTGCCTTCCCTCTCTACAGTGGGGCGGGGCCGGGCCGCCGAGTCGGGGGTG
GAAGGCGGGGGCCACATAATGCCACGCCCCGCCTCGTCCCCATTTGAAGCCCCGCGACT
CTTCACTGCTGGTCAATCAGAGCCCGTGTCTCCCTAGTGCCGGCCAATGGGAGGTGCGC
TCGGGCTGCTTCCGGCTCCGCGCTCCGCTCGCCCCCTCCCAAGGTCTCCCCGCGACTGGC
GGGACGCAGGGGCGGGCGTGGCCGCGGTGACGCGCAGCGGGCCTGGAGCCAATAAGGGG
CGGGCTCGGTGCTGATGGACGGTGTGGTGGCCAGTGGAGAGGCGCTGGCCGCACTTCCC
GTCGGGGAGAGAGTGTAAATATGGCGAAGACCTACGATTACCTGTTCAAGCTGCTGCTGAT
CGGGGACTCGGGGTGGGGAAGACCTGTGTCTGTTCCGCTTCTCCGAGGACGCCTTCAA
>EP74406 (+) Hs ERCC1; range -499 to 100.

CGCGGTCTCCAGAACCATAGAGAGTTGTACAGAGATCGCCTGCTCTATGCTCTACTCT
CCTGGGGAGCGGGGCCAGAGAGGCCGGAAGTGCTGCGAGCCCTGGGCCACGCTGGCCGTG
CTGGCAGTGGGCCCGCTCGATCCCTCTGCAGTCTTTCCTTGAGGCTCCAAGACCAGCAG
GTGAGGCCTCGCGGCGCTGAAACCGTGAGGCCCGGACCACAGGTGCGGGAGGCGGAGACT
GCGGGTGGAGATTGGCGCCCGGGAAGCCAATCATTGCCGAGTCTGAGAGATGGACAAGGC
CAGGCGTGGGGAGGGCGTCCAGATGCTAGCCTCGGGGCCGGACGAACGGAAGGCGGGGG
ATGGTGGGACGGAGCCAATAGAATCCGGTGGGGGCGAGGGGCGGAGCGATGGGACTTGT
GGACCTGTAAGGGGCGGGGCGAGCCGAAGGTGGAGGTCAAAGGGGCGTGGCGTTACAGAG
CCTCTAGCGCTGGGTGTTGGGGACCTGACGCTATGGAGCTCTCGGAGTTTTGTGGGGGAC
GGCTGTGAGTGGGGGTTCTGCTGCGGGATGAGAACGTAGACGCCAGTGGCTCACTCGC
>EP74407 (+) Hs PRKAB1; range -499 to 100.

TTCTGCAGGTCTGCAGTGGGGGATGCATTTAACAAGCGTCCAGGTTAACCTAATGCACT
GTAAAGCGTGAGAACACGTGCATTAAGAGGCTTTAAGAAGTGGAGTTTCTGAATCAGAT
TTGCATTTTAGAAAAGATCCCTCTGGCTGCAGAGTGTAGAATCAACTATAAGTGAGCAAAG
ATAGCTAAATGGCATTATTCAGCCCAGCGCATGAACGGCTCAGATTGCCCGCGCGCTGGG
GTGCCCCCTGCCGGCCCTCGCGAGCGCTCTGCTGGGCCTGGCCCTGGGCGGCCGGCTG
CTGACTGCGACTGCGCGCTCCGAGGCTGACAGAGACGGCCCGGGGACCTGTTACCGCAC
CGCTCAAGACCAGGAAGCGGAAATGGAATCGAGATAGCCTCGCGCGTTTAGCTGGCCGCCG
CCACCTCCACGCCCTAGGCCGGGCGGACTTACGGAGTGCAGGGAAGCGGAAGTGCCTGAG
GGGTGGTGAAGCGGTTGGGAAAGTGTGGTATTCTTCGCGCCCTTGCGTTCTTGCCGC
GGCTTGCTGGGCAGGTAAAGCGCGATTGCGAGAGCTCGGCAACCTGCCGACTCAGCCG
>EP74408 (+) Hs TAF9; range -499 to 100.

CGAGAGCCCAGGAAAGCTTGAAGGCAGAGATAGACTCACGTCTCTAAGACATATACATAA
TATAGCCGCAACCGCGGCGGCTTACTTTCCGGAGTGCATCCCCCTTTAGGCGAAGAG
CGGAGCGACACAGGACTACCTTGAAGTGAAGGGCAGCCACCTGGCCCTACCCGGGCTCA
ACGCCGAGCCTCTCGAGGTACGGCCTCCCGGGGACCTTCCAGACTGGTTCGGCGCAAGCG
AAGGGCGGGGACCACCGAAGGAGTGTGTGACTTAGGCATCCAGCGCACTGCCTGACCCGA
AGTACCGACCCGAGTTATGCCACCCCTCCAACCTTTCGACGGAATGTGTATCGAAAGC
CAGGTAACCAAGTGGGCCGCGGCTGGGCCGCGGGGAGGCTAGGGGCGCCGCGGTGGGCT
TCGGGGCCTTTGGGGCGTGGGCTTTTGTGTCGCGCCCGCCCTTCCGGCTCCTCCCTGTA
GAGCAAAGGGCACGTGAGCGAGGCGCCGAAGCCGTGCGGCGGGGACCATGTTGCTTCC
GAACATCCTGCTCACCAGTACGGGCGCGCGCGGGAGGAGTGGGCTGGGGCAGGCTGG
>EP74409 (+) Hs PSMC2; range -499 to 100.

ATGGAAATATATATAGGGAAGAAAAAAATTTCTACCAGCATGAAATAAATACAAAAA
TTAGTAGCACCAAACTCTCCAGATGAGAAGGAACAGTGTAAAGGATTCTGGCACCGTGAA
AAATCTGAACATTGTGACACCACCAAGGATCACATTAGCTGTTTCAGCAATGTTCCCTGA
CCAAAATGGAATTCAGAAATAATAAATAATTCAAACCATGGAGCAAGGATGCTCAACAA
AAGCCAAGACAAAGTTGAAAAAACAACACAAAGAACTTCTACAGAAATCCAGGAAATGAA
GAAAGAGATAAACATCTTAAAAAGAAATCAATCAGAGCTTCTGGAATCACCTAAGGAATT
TTAAAATACAACCTGAAAGCTTATCAATAGACTAGCCCAAGCAGAAGAAAGACTGTCAGA
GCTTGAAGACTATTCTTTTGAACTAATCTGGTCAGACAAAAATAAAGAAAAAAATAATTT
TTAAAAAAGAACAGTCTTCAGACACCACCAAGAAAGGAAGGTGCTATGTAATCAGTAA
GGAGCAGAGGCATTTGGAAGTCTAAAATGCCAGATTACCTTGGTGCCCATCAGCGGAAG
>EP74410 (+) Hs APPBP1; range -499 to 100.

TGTCTGCATCTGCAGCAGGGAGCCCCTAGCTTTGTGATTCAAAATAGGCTTGTGGGCTTT
TCATGAGAGGAAGAAATGGGTGAAAAATAATGATCATCAAAATGAAAGTTATTATTCATG
CAAGATTTGGGGGAGTCTGGCCTCTGTATTCAAAATCTCATTTAAGGTCAAAGACAC
TTGGGACCCATTTATCCCCACTGCACAGGTGAGCACACTGAGGATTTGAGAGGTAAAGAG
TAGATCTCACAGCCAGTTAAGTGGTCGAAATACAAGTATGCCTGATTCCAATGCCCACT
CGCCCCCAATTACTGCATGGACAGAGGGCAAATTGGCAGGCTAGCGGGTCTGCCTTTCTG
GCCGATGGGGACCAAGAGCCCCAGACCCGCTCGGGTACCAGGGCGGCTTAGGCCCGGCG
TACCGGCGACGCGTGCAGTGCAGTGCAGGCGCCCCCTGCAGGCAGCGCGCAGGAGACGG
TAGCGGCGAAGGGGCGCTCAGTGCAGCTGCGCGCTTGTGGAGCTGGTGGCGGCGCTCCGC
AGGGGCTCGGCTGTTTTCCGCGCGGCAGGCGCGGCCATGGCGCAGCTGGGAAAGCTGCTC
>EP74411 (+) Hs CORO1B; range -499 to 100.

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGCATTAACTTTGATAACTTAAAAAGAGTCACGTGA

ACATATCCACTGTCCGTGTAGATTCTACATTTATTTGTTGGGGGCGGTAATGGGGCCCCCT
TGGAGGTGTGCGTTCCGTCGGGGGCGGGGAAGGCGGGGCCTCACCCAATCCTGGAGACTC
CTGCGGATGCCATTATGAGGAGCAAGAACGCGAAGGGGCGCTCGGGTCCGCTGTAAGGCTG
CACCCGCACCTGCGGCGCCTCTGCGGCGGCCGCGTCCGGCCCTGCCCGCCCCGCCCTCT
TCTTCGGAGGAGCTGCGGTGGGGGCGCTCCACCGGGTCTAGGAAAGGGGCTCTCTCTG
GCCCCGTCCCCGGCGGCCCGCTCCCGCCCCCGGCGCCGCTCAGCCTCCCGCCAGCC
CCTCCGCGCTGACCTCGGCCCGCCCCGCGAGCCCTGCCCGCCCCGCTCCGGGTC
CCTCTGTCACTTCTGAATCTGCTTCTGCTTCCAGAGGCCGGGATCCGGAGCCGCC
GAAGCCGGTGCCGAGCCCCCTGCGCCCCGGTGCCCCGGTGAGCGCGCAGGGCCGGG
>EP74412 (+) Hs ASMTL; range -499 to 100.

GGCGGTGCCCCGGGGGAGGCGGGGCGGGGGTGTGGCCTGGGCGTGGCCTCACGGGGAGCT
CAATGGCGGCGTGGCATGGGCGTGGCCTGGCGGAGAGGGCAAGGAGGTGTGGCCTGGGCG
TGGCCTGGCGGAGCGGTCAATGGCGGCTGACATGGGCGTGGCCTGGCGGAGAGGGCAAT
GGAGGTGTGGCCTGGGCGTGGCCTGACGGAGAGGGCAATGGAGGCGTGGTCTGGGCGTGG
TCTCAGGGGAGATCAATGGGGCGTGACATGGGCGTGGCCTGGTGGAGAGGGCAATGGAGG
TGTGGCCTGGGCGAGGCCCTGACGGAGTGTCAATGGAGGCGTGGCCTGGGCGCGGTCTCG
CGGGGAGGCCACTGAAGGCGCGGACTGGGCGTGGCCTGCGGAGGCGGGCGGGGGCGTGG
CCTCGCGGAGGCGGGACTCTGGCCGCTGTTTTTTTTGACGCCGCGTGCGCACCCGCG
GGCTCCGGGCTCAGAAGTGCGGACGCCCGCTCCCGGCGTGGACGCCATGGTGTGTGCC
CGGTGATTGGGAAGCTGCTGCACAAGCGCGTGGTGTGGCCAGCGCTCCCCACGCCGTC
>EP74413 (+) Hs PCBP2; range -499 to 100.

CCTTATCTACAAATTGCTACTACAAAGAAAATTTACATGTGTTCTCTCTAGTTTTCACT
TAAACTGCTCCCCAGCAGGGAACAAAAGGTCATTTGCCCTCGCTGTAGTTGGAGATTTG
CACTCATGATTTCCAGGTGTTTCTGAATTTCTTGAAGCTTTTTCTGCTGAAGGACAAGTG
GTGCACGTTTCAGAGTTTCTTGAACCATTGCCAATTGAAAGAACCTTGTTTCATCCTGA
GAGTCAGCGAAACCCTGTCAATTAATGAGAGGAACTGGAAGTTGCCTTCTATACTGTGT
AACAGAACCTGAGCTGTATATTTTGTATGCAAGTTGTGCTTGGTGTGTATATAAGTCTGA
CATACTGTCAATTAAGGAAAAGTGTAAGTAGAAAATATTGATAAGGTGAAAATAACTTG
GGAAATAATAACCTTGTGTTTTCTCCTCTGATTTTGGTCATGTTTGCATTTTAGTTTT
TGGCTTTCACCCCCAACAGTGACCAAAGACTTGACCACTCAAAGTCCAGCTCCCCAGAA
CACTGCTCGACATGGACACCGGTGTGATTGAAGGTGGATTAAATGTCACTCTCACCATCC
>EP74414 (+) Hs MAP2K1IP1; range -499 to 100.

AATCTAGGTAAGGCCTTCAGTAAAGAGCACCCATGGGGAAGTCACAAGAGCCTAGGAAAC
AGGTCAGAAACCTGTGGACCTGGTACTTCCAATCACAGGCAATCTGGTGCTTGCTCTTCA
GCTCATCACACCATCCCCCAAAATTTCTTCATCTACAAGAAAAGGTTTTAAGATAACAGA
CCCTGCAAACTAATGACATTTATACACCCTCTCTGCACAAGAATGTCTTGTAACACATA
ACCTTGCTTGCAATTTCTGGGTTCTTAGGGTCCAGCGATCTCGTACAAATCTACCCAC
AGCTGACTTCTTCGGCCCGTGACACAAGGCGCAGGCGCAAGACGCGGCCCGCGGTGGGC
GGGGGAGGGGCGGGGCGCGTGCGGGGCGGGGGGAGGGGAGGGGCGCGCCGCGGACGC
GCCCTCGCAGCTTCGCGCGGCCCTCCGGAATCCCGTATCGTAGGGCGACGGCGGCTT
AGAAAGTGCTTCTTGAGCGCAGACGAGGTGATGAATCATGTGACGGTGGCTTGAGGAGG
AACCTGTCTTTAAAGCTGTCCCTGAAGTGACAGCGGAGAGAACCAGGCAGCCAGAAACC
>EP74415 (+) Hs HTATIP; range -499 to 100.

TAAAAAGCCTAATATACAAAATAAAGCTAGGAATCTTCCCTGAGTCCTCTTGCTACGG
AATGAAGTCCACAGACTTGGGGGAGCGTTTGAACCTTTAAGGCCACTTCTTTCTCCA
GCCTCTCGCGCCAGTTGACTCCCGGAACACCTCCCGCCGCCACAAGGAGACGCCCCGAG
GACTTCCCTCCGACAAAGCAAAAACGGTATTGCCACGTGACCCGCTCCGCATACACGTG
ACCAGCTTCGCACCCGGTGGGCGTACGTGACGGACTCAGTAGACCGCCACTGGCTGTGC
ACGTTATGGGGTTTCCACTAGGGCTCGGCCTGAGGCTTGTAAACACTCCGTTTTCCCCCG
AGTCACAGGGCAGTCTTGCCCTCGCAGCTGGGTGCGGCTGCTCTCAAAAGTCCCCCT
CTACAGGGGCTTCGTGAGGCCGGGCCACAGGGCGCTCGGTCCCGGAAGTGACGTCTCC
CAGAGGGGCCGGAAGTGGCAGTGAGGGGAGGGAAGATGGCGGAGGTGGTGAGTCCGGTGC
CCGGGGCGGGGCGGAGGGAGCCAGGGGAGGTGGGTAGAGCCGAGGCCCCCACTAGCCG
>EP74416 (+) Hs JTB; range -499 to 100.

AAGGACCAGCTCTGAGGAGTAGGCTTAGCAAAGTAACATGAGGGAAGGTAACACCGTTCA
TCTGTGTAGCGGAGTGGGAGCCAAGAGACAAGGAGAAAGTTTCATGTTCTGTATGTGTCT
CGGATATTCGGTTTCTGACGGGACGAGAACGCGCAGTTTTCGCTCCATCCCTTGACCTC
CAACACAGCTTCTCACTGGATCATCGGTGGCGATGAAGGGGCGGCTGGGGAAGGATGTC
AGAGAAACCAGAAGCTTGACGGTGAATCCTCGGGTTTTAAGGAGAGAGCAAAGTCTGAG
AGGGCGACGTATTGTCCCTGCTACCTAGCCCAGAATGAACAAACACGCGCCAGCCAGGG
AGCAGCGAGCCGAGAATTCGACGAGCCTCTGCAACCGCCATTTGCCGTTCTCGAAAGA
CTACCAAGACCAATGCAACGGGGCGCCGAGCTAATCCCAGTGAGCAGCAGGCGAGGC
GCCACCGACGCGGAAGACTATAAGCCCCAGCGGGCAGCACCGAACGCCCCGGGAACAC
CGGGCCCCGAGCTCGGTCCCGCGCCGAGGATCCTCCACGGGGCTAGATGGCTGCGTCGG
>EP74417 (+) Hs SDHB; range -499 to 100.

TGCGCCTGTAATCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCGTGAACCCGGGAG
GCGGAGGTTGCACTGAGCCAAAGATCGCGCCATTGCACTCCAGCCGGGAAACAGTGCGAG
ACTCCATCTCAAACAAACAAACAAAAATTCAGGAATAAAGAGGTTGAAATCGGGGAGG
GACCCGGATAGGATGGCTCCGCCCATCTAAGTCTTAGCCCCACCCCTGAAAGTCGCC
TGCTCTCAGACTCCTCCCTTTCTGAGAAGGTCACGGGGGAAGCCAAATGGGCATGCGC
CGCTACTGCGCTATTGCGCACGCTCGCTGTGCTTGCCCCGCTTCCCTCCGCCACCCGG
GAAACCGGAAGCCGCTCCCACTTGTTGCTCGTACGCGGCTAGTGGGTCTCAGTGGAT
GTAGGCTGGGCGCCGCGATGTTGACGGGACACCGGCGGAGAGCGACCTCGGGGTTAAGG
GGTGGGGCTGACGTGAGGAGCAAGATGGCGGCGGTGGTGGCCCTCTCCTTGAGGCGCCG
GTTGCCGGCCACAACCTTGCGGAGCCTGCCTGCAGGTGAGTCTGGAGCCTCAGAGAG
>EP74418 (+) Hs AASDHPPT; range -499 to 100.

CCTCTAGAGATGGAACCTCTCGTGCCCCGTACACGAAGCAGCTGAAGCCAAGGACATT
CTCTTCTCTGTGGGTACAGGGGCCAACTCAGACCCTGAGAATAAGGGCTACCATCCAC
TCCTCCCTCAGACCCCGGAGCTACCCACCTGCAACTGCAGTCTCCGAAGTCTCCACCCC
AGTCTCCCTGCCTCCAGAGGACTGGTTGCGATTGGCTGCACCGCTGTCCCGTTAACTCT
TCCGCAAGTGAGTGGCGTAACTGTGCGGCTCTTGCCCTTGGTCCCGCCCTTCGCTCGC
CTCCGAAGCCTCGCTACTTGACGTCATACAATGCCGCAAAGCGCAGGGCTGATCTCCGT
CTCCGCCCCAGCTGCTTTCTCCGAGAGGAGGTGGCTGAGTCGGGGGCGGGCTGGGAGGG
CTGTGCGTGGGCCAGTCTGCGTAGCGACGCGCCGTCCCTGCGCACGGACGCCGGGAAGA
AGGGGGTGGGGCCAGTTTTCGCTCCGCGCCATCAGGCCGAGATAGCGGCGAGGTCCGCT
TTCAGTGTATGGTTTTCCCTGCCAAACGGTTCTGCTTGGTGCCATCCATGGAGGGCGTGC
>EP74419 (+) Hs GABARAPL2 P1; range -499 to 100.

GCCCCAACCTGTACCACTCCGAGCAATACTCCCCAACTGTCAACGCCCTAAACAGCT
CCCTTGTTATCGCCAAGCTCTAGAAAGCCCTCCTTATGTCATTCTTACCCCTAAAGACCG
TTCTTGTCACCAATTCCCCAGACTTCCCTATGAACCGCTCTAAGAGCCCTCAGCTATCA
GCCACACCCCCAAACAGCCCTCAGTAAGAGCCCTACACTATCAGCCAGACGTTTTCCGCC
ACCAACGCTCCCGAGACCCCACTCTGTACCAAGTTCGCCGAACATTCCTGCGAGCAATG
TCGAGATACTGCTCACAGACGTCCCATTAACCAACTTCTTCGCCACCGCAGCCAGGAG
CCCCCAAAGGGTCTCCGCGGCCCCGCCCCCTTACGTGCGGCCCCGCCCCCTTGGCGTGG
CGCCCTGACAAATGGCGCCGGAAGCCCCGCCCCGCGCGGTTGCTAGGCTCCGACAGCCG
GAAGTCCCGCTGCCGTGTAGTCGCGCGCTGCTGCCGCTGCCGCTGCCGCTGCCGCTGTTG
TTGTTGTGCTCGGTGCGCTGAGCTCCGCGGCTCCGCGAGCCGTTCCGTCCCTTCCCGC
>EP74420 (+) Hs GABARAPL2 P2+; range -499 to 100.

AACAGTCCCTTGTTATCGCCAAGCTCTAGAAAGCCCTCCTTATGTCATTCTTACCCCTA
AAGACCGTTCTTGTCACCAATTCCCCAGACTTCCCTATGAACCGCTCTAAGAGCCCTCA
GCTATCAGCCACACCCCCAAACAGCCCTCAGTAAGAGCCCTACACTATCAGCCAGACGTT
TTCCGCCACCAACGCTCCCGAGACCCCACTCTGTACCAAGTTCGCCGAACATTCCTGCG
AGCAATGTCGAGATACTGCTCACAGACGTCCCATTAACCAACTTCTTCGCCACCGCAGC
CCAGGAGCCCCAAAGGGTCTCCGCGGCCCCGCCCCCTTACGTGCGGCCCCGCCCCCTT
GGCGTGGCGCCCTGACAAATGGCGCCGGAAGCCCCGCCCCGCGCGGTTGCTAGGCTCCG
ACAGCCGGAAGTCCCGCTGCCGTGTAGTCGCGCGCTGCTGCCGCTGCCGCTGCCGCTG
GTGTTGTTGTTGTTGTTGCTCGGTGCGCTGAGCTCCGCGGCTCCGCGAGCCGTTCCGTCCC
TCCCCGCGCCGCCATGAAGTGGATGTTCAAGGAGGACCACTCGCTGGGTAAAGCACTTGG
>EP74421 (+) Hs ATP6P1; range -499 to 100.

TTGGCCGGGTGCGGCGATGCGCGCTGTAGTCCCACTTTTCCGAGGCTGAGGCGGGAGG
ATCGCTTGAGCCCGGGGACTCGAGACCAGCTGGCCAACATAGCTAGACCCCGTCTCTAA
AGAAAAAAAAAAGACAAAAGAAGAGAACAACAACAAAAAACAAAATAAAAAATAAAAA
AAAAACGGAGCGGGGCAACGCTCGGGTGGGCGTAGGGTTCCGCGAAGCCTCCCTGTCCCT
CTTGCTCTGCTCTAGTCGGTCTAGCTGGGCCCCATCCCCCTTCCCACTCGGAGCGTGAGC
GCCTGGAGACAGTACAGCCAAACAGTGAAGAAGGAGTGGCCGCGAGTGGCATGCACTTGG
TCCAATTACCTGCGGCCCTGCCGGTCCGCCCGCGCTGGGGCCAATGGAGGTGCGAGGCGG
GGCTCGGGCGGGGGCAACGGTCACCTGATCTGCGGCTGTGAGGCGGCTGAGGCAGTGGA
GGCTGAGGCTATGATGGCGGCCATGGCGACGGCTCGAGTGGGATGGGGCCGCGATGCGC
CCAGGCGCTCTGGCGCATGCCGTGGCTGCCGGTGTGTTTTGCTGTTGGCGGCGGCGGCGG
>EP74422 (+) Hs NDUF7; range -499 to 100.

GAGCCAGGAGGTGGAGGCTGCACTGAGCCGAGATCGCGCAATACACTCCAGTCTGGGC
GACAGGTAAGTGTCTCCAAAAACAAAAATTCCTAAAGTGACTTTATGCAAAATTACAT
ACATTAACGATATAATAGATATCGTGCCCTTTTTTAAGAGAAATTTGAATGTTTTCAAAGA
AAAAAATTTTTGAAAAATGATATGAAAAATAATTTTAATATGTGCTTTAGCCTCGGGCTA
CCAGAAGAGCCCCAGATAGGGTGCAGGGAGGCCTCAGTCCCACACCGTCCCTTCTGCCC
CGCCAGATGGATTTCCAGGCTCAGGGAAGTCCCTCTCGGGTCCAACCATATCCTGCGA
AGAGACACAGCACTGTCCCGCTCCGCTGTCCGCGAGGTGACGCCAGGCGGACCGGAG
CGATCCTCTGGAGTCTTCTATCTATGATCTCCGAGCTGCCTAAATGACCCGGAAGCT
GTGTCTGACTGAGGGGTGAGTGGTCCGGGTAGGAGCTAGGTGACCCCTCGGCTGCTGCAG
GGATCTGCAGCACTGCAGCATGGGGGCCACCTGGTCCGGCGCTACCTGGGCGATGCC

>EP74423 (+) Hs DSCR5; range -499 to 100.

CCCATGCAGACACAGTAGGCACCTCAGCGAGGGACGCGAGGAGACGCGCACACACCCACA
CTCACCACACACCCACGGAGGGGTGTGGAAGGCCCGCTCCCCGGCATCTCGGCTGCA
GCGGGACAAGGTGACACATCCGGGAGCCCGCAGCGCGCGGGTGTGCACTACCCGGGC
CCGCCGCCGCGAGCCTCGGACGCGGGCAGCAGCAGCAGCGCCGCCGCCGCCGCCG
CCACCTCCGGCCCTCCACGTACGCCGACGCGGGAGGGAGCGGGTGGCGGCGTTGAAGCG
AGGTGCGTCACGTGGGCTGGCAGCGCGCTGCGCAGTCGACCCCCACCGCCCCCTCCTT
GCCGTGCGAGCCGCGGGATACGCCCCGCCCGCGCTCGCTGGCTCCACCCGGGGAGG
GTCGTTGTGCGCTGCGCCAGGGTGGGGGTTGCCGTGCGCCTAGGCCTTTCCCTCAGGT
TTTCCTCTTCCCACTGCGGCTCCCCAGTCGGCGCTTGCGCGGAGAACTCAGCGCTAGG
TGCCCGAGGTGTGCGGAGGGGCTGGGTGGGCGTATGAAGGACCCGAGGTCGAGGGCCCC

>EP74424 (+) Hs PTK9L; range -499 to 100.

CAAAGCCTAGCGGCCATGATACCCCCAGGTGCCAGGACCCACGGGAGGCGCTCAAGA
AACGGCCCCCTGGGGAAGAGCTGGCGCGCCACCCACAAGCAGACCCCTTCTGGGTGCAA
ACCCGTGTACGTGGGACCACTCTATTTCGGAGACCACTGGCTTGGGGCGCACAGAT
CGGGCGCGCGCACGATCCGCCCCACCCACAGACCACGTGATCAGGGCGCACAGACAC
ACACGCGCGTCTCTCCACGACGCTCGGTACACGACGAGGCCCTCTCTGCCACAGAG
GAACGCGCTGGCGTGCGCACGCGGATCAATCATCATCTTAGACCCACCCGGACCGAGG
CGCAGGCTGCGCGCACGCGCGGCCCGAGTCCCCGCTCCCTGCGCGCCTGTGCGGGGC
GGGGCGCGCTGGGGGCGGGTCTGCGGCACCGCCGGGAAGCTGCGCGAGGGTCGACAG
CCTCCGCCACATCTCCACCTCTTGGTCCAGCGAGCGTTGCCGGGCCAGGGTCAAGCG
GAGGGCTCCGACGGCGCGGACGGAGCGAAGCGCCGAGCCATGGCGACCAACGGGCATC

>EP74425 (+) Hs CYBA; range -499 to 100.

AGCCCAGAGCCAGGGGGAGGAAATGGGGGTGGGCTCTGGTCCCCATGGGGAGGCCACC
CTTGTCCTTGGTAGCATCAGGGTGCAGAGGTGTTCCCGGGCTGTAGGGGTGACTCCCCA
CCCCCAAGGCTCTGGAGAGGCCGATTTGCTCAGGAAGCCGACCTTACACCTTGTCTTG
CTATTAATAGACGCTGGTTGACACGGGACCTCGGTTGGGTCCGGAGCATTGGGCAGGG
GCACTTGTAGTGTGAGAGCTGAAGTTTGGGAAGCCCTGGGGAAGCGCAGGAACCTCCC
CGCCTGGGCTGGGGCTGCCGGGCAGGGCCCTCTATGCCTCGGCGTGCTAGAGAGGGC
GGGGGCGAAGGCTCCGGGACAGCCCTGCACCTACAGATGCGGGTCTCCGCCAGCCGC
GGTCACCTGGGGGGCTGGGGGCGGGGCTGGGCGGGGCGGGGTTGCGCCGGGAGCGCAGG
GGCGGCGATGCGCGCTAGCAGTGTCCAGCCGGGTTCTGTGCGCATGGGGCAGATCGA
GTGGGCGATGTGGGCCAACGAACAGGCGCTGGCGTCCGGCTGAGTGAGTGACGTCAGG

>EP74426 (+) Hs VPS29; range -499 to 100.

CCGATACCAACCATATTACATCTGCCTCTAAGTCACACGAGATGGGTCTCATCTCCC
CTCAGAAGTTAACAGGGACTTGAGTGGGTGGGGCTGTGGCCAGGGCGTGCCTCTAGTC
ATTGCGCAAAAAGGCAAAGAGGAAAAATTAGACAATGGTAGGGACGACCTATTAACGTCT
GCTTTTCTCTGCTAAATGGGAAGACAACAAAGGCCGCTCCACCTTTACCTGACTGCC
GCTCATCACGCACTTCAGCATGGCTGCCATCCGCCCTAAAAAGCAGGCTCGGAAGGCGCG
CCTCAGCTCGACGGCCAGGTGCCCCGATGTTGCCCGCGCTTTTCAAAGCTTCGCGATCT
CGTCTCTGCACTCTACCACCCCGCTCCACAAGTTCCCAAACGGCTTTACGGCGGAGAAG
GGTCCGTGCGGGCTCCGTACGGCAATTTCTGTCTCCCTCTGCTCTCATTGGTTGCGGTT
AAGTGGGCGGGTGCAGGAGCCTGAGGAAGAGGGCGGCGACGGTGGTGGTGACTGAGC
GGAGCCCGGTGACAGGATGGTGAGGGCTGCAGTTGCGGCGACCAAGGCCCTGGCTCTCGGG

>EP74427 (+) Hs MRPS6; range -499 to 100.

CGCACAGCCCCGGGCCGGCCGCGACCCCGCTTGCGCCGCGAAGGTCCCTAGCTCCGGG
GAGTCGCGGGCGAGGGGACGCGCACGGACGAGACCGCACCGCAGCGCACGCGCACTGGC
GGGCACTACTCGCCCGCCGCCGGGAGGAGAAGGAAGGCATGGAAGTTCCAGCCGGTT
CGAGAGCTAGGTAGCAGGCTAGGAGGAGGCGGGTAGGGGACGAGGTCGCGAGGGG
GCGTGGCGGCGCCGCGAGCCGCTTGCGGCGCGCTGCGACACCGCCCTAGCCGCGGCC
GGCGGGCTGGGTGGGGTGGGGGCGGGGCGGTGCGGCGGGTGGGGGCTGCGGAGGGGG
CGTGGCGGCCGCCCGGGGCGGAGAGGGGGCGGGGCGGCGCAAGGCGCGGGGCGGGG
GGGGCGCGCCGAGGGGGCGTGGCGGGCTGCGCAGCTGCCAGCGCCTTTAAGCCCGG
GCTCGGCTCTCGGACCGTGTTCGCCGCTGGGAGCCGTCCGGCGCAGCAGTTTCTAG
GTCCCCACTGTCCCGCGCTCCGCCCCCTTCCGTCCCGGGAACCGGCTGGCTTCCGAGC

>EP74428 (+) Hs CSTB; range -499 to 100.

ACAAGCGGTGATGTCCACTGCAGCCGACACCTGCTCCCGCGGGGCCGGGACCCCTGAC
CCCTGACCCCTGCAGCGCTGCGCCCCGCCCTCCCTCGTGCGCGGCCGGACCCCGCCACC
CTGCAGGATTGCGCCTACTCCGACTGCCCTTCCCTATCGTCCACCTGCGCGCCCAAC
CCACCGGCGACACCCGGCGCGCCCCCGCCCCGGTCCGTGTGACTCGGCGCCCGAAAGA
CGATACCAGCCCCGGGAGGGGGCGCTCCCTCCCGACACCAGCGCTGGGCGCGGAGACCC
AGCCTGCGGCGAGTGGTGGCCAGGTTCCCCGCCCGCGCCCCGCCCGCGCCCGCCCCG
CGCGTCCCTTTCGCGGGGCCACCGCGACCCCGCAGGGGACTCCGAAGCCAAAGTGCTC
CTCCCCGCCCTTGGTTCCGCCCGCGGTACGTGACCCAGCGCCTACTTGGGCTGAGG
AGCCGCGCGTCCCTCGCCGAGTCCCTCGCCAGATTCCCTCCGTGCGCGCAAGATGA

TGTGCGGGGCGCCCTCCGCCACGACGCCGCGCCACCGCCGAGACCCAGCACATCGCCGACC
>EP74429 (+) Hs AKR7A2; range -499 to 100.

CGAGAGGCCGCGCTGGTCGCCCTTTGAGGTGGGGGGCCACTGGCTGCGGATTCCCGAGGGC
CACCCAGTCCCGGCCCGGAGCCTCGTCCCACGATATCGGCCACAAGGAGGGCGCAGGAG
CCGGGACAGTCCAGCGGCCGAGGAGAGGGCTGGAAGGATGTGGCAGGGAAGCCAGGAG
CCCCGACCCCCAGCCGTGAAGTTTGCCACCTGCCCCGGTCCGGCTACACAGTCCAGAT
CCGCCGCCAGGGCCAGCTTCTGGGTCAAGGCCGCGCGGGTCAGCTGACCGCGCGCCACC
GCCCCCGCGGAACCGCAGGCCCGCCCCACGCCGCGCGCTGGGCTGACCGGGCCTGGA
GGCGCCGCTGGGGCCGCGCCTGTTGTCCCCGCCCCAACTGCCTCCGCGCTCCTCCCCGG
CATGGGCGGGGCCCCCGGCTCCCAACGCGCAGGCGCCGCTGCTATGCTGAGTGCCGCGTC
TCGCGTAGTCTCCCGCGCCGCGCTCCACTGCGCGCTTCGCTCTCCGCCGCCGAGGCCCCG
CGCGCTCGCCATGTCCCGGCCACCGCCACCGCGGGTTCGCTCGGTGCTGGGCACCATGGA
>EP74430 (+) Hs CRIP2; range -499 to 100.

CAAAGGGAAGCGGGACAGGCGCCGCGCGCGCGGGGTGGGGTGGGGTCTCCCGAGGCC
TGCGACCCCTTCCCGCGCGGAGCGCAGCTGGGCGCCAGGGCCGGGAGTGTGGACCC
CTAGGCCCAAGTCACTAGGGCTCCCCGAGAGCCGAGGGCCAGGCTCCCCGACCCCTGCC
GCCGCCCGGGGACGGCCGGCAGGCGGGCCCCGACGTCGCCATGGAACAGCGGGGCG
CGGGCGGCGCGGTCGCGTCCCGGGCGGGCCCTGTAGACGCCACCTCCGCGCGAGGGGC
CCGGGGGCGCCAGGCTTGCCCGGCTGCCCGCACCCGCCACCCCGGAGGTGCGCCCC
GCCCCCGCGGCGCCCCAGGCGGCCCGCCAGCCGGGGGACGGGTATCGAGGCCCGCCC
CGGCCGCGGAGCAATGGGCGCGCGGACAGCCGGGCAGGCGGGGCTGGGCGCGGGCGGCG
GCGGCCCGGAGGAGAACGGGCGGAGGGCGCGGGCCGACCGGGCGCACCGACCATGGCCTC
CAAATGCCCCAAGTGCACAAGACCGTGTACTTCGGTGAGTGCGTGCCCGCTCCCGGCC
>EP74431 (+) Hs SUCLG1; range -499 to 100.

GCAAACGAGGAAAACGAAGGGGAAGGAGATGGGCCTGGGATACAAAGTTCTGGCACTGC
TCTTCGCACCTCACCTCGCTGTTTCTTCCCTCCTAGTCTTCAAGTCCCTTGTCTCCCCGG
TCTCACTGCCGTCTTCCCTCGCTCCCTTCCCGCCGCTCACTCAAAGCTACGAACCAG
TCGCGGCCGTGAGACTACATTGCCACCAATGCCACGCGCTGGCCAGTCTCGCGTGGGGTT
TTCCCTCAGCTGCTGTTATAATTAATGTTAATCAAACCCACATTTCTAGGAAGGAGCCGA
GTTATTATCTGCCTCTCCGATAGGATGCCTCTTTGTCTTCACTGCCATTCCCGCTGTTT
CGTGAAGAATCCTCTGTAAAGGGAATTTGTTCAAGCGACTGCTGTGGCCACCCTCTGCC
TCCTCCGGCTCTGCCCTGGGAGGTCCCCGGGGGCTGGGAGTGTATTGGCGTATGAC
CGCAACCCCTTGCCGCTGCCGTGACATCGTACCATGGTCTCCGGCAGCAGCGGCCTCGC
CGCGGCCGTCTCCTGTGCGCGCAGCTTCCCTCCGTGAGTCCAGCAGTACTGTCTTCTCTG
>EP74432 (+) Hs MOC52; range -499 to 100.

GTCCTCAGGACTTCTGAGGCTGTGTACGGGCATGTCCTCAACGTTGGCAAAATAAACT
TTCTAAGTTAACTGAGACCTGTCTCAAATTTTCGAGGTTACATACCGTAGGTAAAAGTG
TCAGAAGCCTAAAGGTGAGCCAGTGGAAGAGCCTGAAGACCCCTGCAAGGTTATTAGCTA
AGCCTCCATAACGCAGGCGGCAAGTGTCCAGGAGTCTGGCGTCTGCTCGCCTGCACCACG
ACCTCCCTCCTGGGAGAAGGACATGCATGGTAAGCCATTTCTCCATTTCCATACTGATT
GCTTCCTCTCACCAACACGGCCCATCTGCGAAGCAAACTAATCCTGGCGTGGAACAGGC
CGCCTGAGGGAAACAGCTAGAGCCCCGGCGCGGGGCGGAGCTGGTTGTGCGCATGCTCCGT
GCAGGCGCAGGCGGGGGCTGAGCGCCGTGGGTTACGCCTGCGCTCCGGGTGAGCCCGCG
CCTGCGCCTTTGCGGCCGTGATTGCGTCCCGCTGTCTAGGCGGGATGGTGCCGCTGTGC
CAGGTAAGGGTGGCGGGTGTGCGTGCGGGCCTGGGTGCGGAGCCCTCCTCGACGTGTCTC
>EP74433 (+) Hs GNB3; range -499 to 100.

ATCACCCCTATATCCCACCTCCTGGCCTGGTTGCTAAGTGGCCCTGACTGCCAAGATCAT
CACCATGGATGGGGGCCGGGACCAGGGGGGCACTGGAGCTGTAGTTGTCTGCTCCTTG
CACCCCTCCCAAACCCCAACCTTAATCCTCACAGCTTTGCTCTAATCCTGTGGGGCCTG
ATGCTCTTATCTGCTGCCTGCAGACTGACCAGGGAAGCACCCCTTACCCCCCTCCTCTC
TCAGGGCTTGTGGTGGGGGCTGCCCCCTCTATGGCCCCACACTCCTGCCCCCAACCCCTC
CTCCCGGCTGGGCCCAAGTCTCTCTGGAATCCGTACACCTCCCTCCCTCCCCCAACCCCT
TCCCCCAACCCCTGCCAGTGATTTCAATTTGCCTGACGTTGTGGTTGGCTCTACCCTTCC
CTGTCAAGGCCCCCAACCCCCGCGGGTGGGGGCCAGGCCAGGCCAGGCCAGCTCCTCT
GGCAGCAGAGCTGGGCAGGTGACGGGCGGGCGCGGGCGTGCAGCTGAGGGAGTAAGGA
GGCTCCCAGGAACCGAGCTGGAACCCGCGCGAGGTCCAGCCAGAGCCCAAGTAAGAGG
>EP74434 (+) Hs ZNF259; range -499 to 100.

TGAGGACAGAATAGGGAGTGGGAAGAACAAGGGACAGAGGGATTACAGGGATTGTGAG
AGAGGGGAAGAGGCTGAGCCACCCGAGGGGCGACCTAGCACGCAAGCAGTATGTGGCCC
AACACTGGAACCAAGCAGCCCGGCTCCGGGCGCACCTTCTCAGGGATTCTCAGGGACAA
GTCCAGCCCCCTGTGCTCAAGGCTCTTGTAGACCGACGTAGGGACCAATAGAACCCCGTG
CGGTGGAGCTATTGTGAAGGAGCAAAAAGTGCCCTGGTTCTAAGAGGACGTCTTAGGGG
AAGTGACGGCTGAGTTGAGGTGGATCCGGCTGGCGATGTAAGGTTTCAGCCATATAAAC
CGGGAACCGGGAGCCCTTGACGACATTGTTCCCCGAGTGCCCGGAGTCTGCGGCTTTTTT
TGGGGTGGTGGCAGCTGGCGGAAGTGACGGGAGAGGGGTGGGGCCGCGAGAGCGGCGGAA

GTAGGAAGCCGAGGTCTGAATTGCGCGTGGTGGCCATGGCGGCCAGCGGGGCTGTGGAAC
CAGGGCCCCCGGGGCTGCCGTGCCCCGTGCCCCGCCCGCCCGCCCTGCCCTG
>EP74435 (+) Hs MRP57; range -499 to 100.
GGCGCCTGATAGGGAAGGGCGTGATCGCAGGCTGCTCGCGGCGAGGGCGAGACCGGGC
GTGGGCTGCCAAGAGGCGACGCCGTGGAGCCCGGGAGGGGACGTGGGGTGAAGACAGG
GGCAGCCAGCGGCTCGAGGGCAGGCAGAAACGGCCGCGGCTACTACTGAGCCAGGACT
CCAGGCTTTCCCTTCCGCCATATGTCAGCCGCCCGCCCGCGGCTTCAAAC
TCGCGAGAGTCTGCACGAGCTGAGACGGGGCGGGCCTGCATGGGGTCTGAGAGGAGTG
AGTGCCGTCACCGAGGGCCGCCAGACTGCGACGGATACAGGGAGGGCAAGGGTTTCCT
TTTGGCGCTCCCTTTGGACCCCGAGTGAAAACTCTAACGTCCAGATCAGTGGAGAGA
AACGCAGATTTAGGACCTGAGGAGTCTTTTACCCGTTTCCCGTCACTCGCTCAGGCG
CGCCGAGGGCAGTCTTGTGGGGTCTCGTGGCCAGCCAAGATGGCTGCCCCGCACTGA
AGGTTGCCCGAGGATGGTCGGCCTGGCGTTGGGCGTGCGGCGGGCTGTCTTGACAGTTC
>EP74436 (+) Hs AUTL1; range -499 to 100.
GTTCTTCACAACAGGAAAAGAGGCATCTGGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATC
AAAGTGAGGCTTGGGTTGGCTCTATCTTGGTCTGAGTGCAGGAAGGAGGGCCGAATG
CATGCTGGATCTTGAGTCTCTACGCCAGAGGCAAGGGCGTGATGCTGCATGGCCTGCTG
GTAGTTGAAGTCCAAGTGCTCGAGAGGAATTTATGGCAGCCGTAATGTGGTTTGTCTATC
AGAGAGACAATGCTCACAGACGGATACTTTCTTGGTTCTGCGCTTGTGCATTGGTGG
ATTAGCGGCTTGGGGTGGCGAACAGGTGGGAAAAAGGGATGGATAAAGTAAGCATAGCAG
AGGCCCTTACGCCGCTGCTATCGCTACTGCCAATCGCAAGGCTTTCGTATCCCGAAGTG
GCTGATCTGTTGGATTTGACGCGGAGGCGTTCTCTTACTACGGTGGCCGGGGTGTCA
AAGTACCTGTAGCTGCGGCGTGAGGTGCGAACGTCTGCGTGTGTGCGGGCTGGTTTTGT
GGCGGCTGCTGCTAGAGCTGGAGCATTTGCCGGGTTGGTGGCTCTGCACATTTTACAG
>EP74437 (+) Hs SFRS1; range -499 to 100.
GAAGATACCCGGGTTTCCGGAGCAACCGCCCGGGCCGTCCCTTTGGCCCCGCCTCCGA
GACTCTTTCGCCCAAAGGCCGTTATCGCCGAGAGCATGGTGGGACAACGCTTTAGGCT
AGGTTTACCAAGTGCTTTGAAGGCGCCGAGTTGCTTTCAAAGATCCTCATTCTGGAGA
AATCGACCATCCTTCAAGACCCGACCTGGATGACTAGCTCCTTTAACGAAAGTTCGTTAT
TTAACTTTTACCAAACGGCTGGTCACTCTGTTTCGAAACCACCCCAAGCTGGGAACGCGG
GGGACTTTTTTACCCCTTCGTGGGGAGGGTGACGTCGCGCGTGCGTGCGCGTGCGCTGA
ACGTAGCCCTCGCAGACCCGTTGCGCTCCCGCGCGTGCGTGTTGGGATCGAATCGTGT
TTCCTTCCGCTTCTCTTCTGCTCTCCCCCATATCCGTGCGCCGAGCTGATAAAGGC
GCCATTTTGGAGGGGCGCGGAGACGTGGTGCCGCTGCGGGCTCGCTCTGCCGTGCGCT
AGGCTTGGTGGGAAGGCCTGTTCTCAGAGTCCGCGCTTTTCGTACCCGCCATGTCGGGAGG
>EP74438 (+) Hs VDAC3; range -499 to 100.
GCGGTGGCTCATGCCTGTAATCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGCGGATCACCAGG
TCAGGAGATCGAGACCATCTGGCTAACATGGTGAAACCACGTCTCTACTAAAAATACAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAGCCTAGCGTGGTGGCGGGTGCCTGTAGTCC
CAGCTACTTGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTGAATCTGGAGGCGGAGTTGCAGCG
AGCAGAGATTGCACCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGTGAGACTCCGTCCAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGGAATTTATTGCTGTAACCGGATACAGGCAGAAGGCCAGAGATAATT
CCACCAGACCAACTCAAAGTGTTAGAATTGCTTATACAGGTTGGAGTTATGTGCCTACGT
GCAGCACAACTTCGCTAAGTCTATTGGTAACATAATTTGTTTCACTAGAAAGTCAGA
GGCAAAAAAAGCTTGTGGGAGACAGGCCCTTGGGGTGGAGGTCTTTGATTTTATAAGA
ACCTGAGAAAGATTTTCTAAGATATGTGTAACACACCAACTTACTGTGACCTGGGAAAG
>EP74439 (+) Hs UQRH; range -499 to 100.
CGTTGGGGCCCGAGGCCGAGCTTTCGCTGGCGCCGCTCCCGGGACGTGGCCTCCATGG
TCGTTGCCGCGCTACCTCACAGAACCAAGCACTCCGGGCGCGCAGGCCCTCGGGCGCCG
CCATCTTGGGAGGTGCGCGAGCCCGAGAGTGTCGCCGCGGACCGCCATCTTGAAAAGG
TCAGCAGTTAGGACGGCTCCATAAGCGATATGGGGAAGAATGTGAATTATTCTAAAGAAA
TTTCGAAGAAATTAGCACACTTTCCAAGTCTCTTAGGAGCTACTATTTTAGATAAACTCC
TAGATCAATTATACTTGGGTGTGGTATGACTAAGGGGATGTTTCTTAGCAAAGCCTCCTC
GGGTGCAAACATCAGCTACCCCTAACCTCTGCCTGCGGCTGGTAGTACATGCCAATCTGA
GCATGTGTTTCGCGACCACGATGAGTGTGCCGCACTTCCGGCCAGATCGCCGATTTCCGC
TGAGTGACCTTACAAGTCTTCTTGATCTGAACTGGGTAGGTGCCGCTGTTGCTGCT
CGTGTTGAATCTAGAACCGTAGCCAGACATGGGACTGGAGGACGAGCAAAAGATGCTTAC
>EP74440 (+) Hs SFRS2; range -499 to 100.
AAGCGGACTCCGGCGAAGAGCAGTCAGGAACGGCTGGACGGGGCCGAGAGACGACGCAGC
GGAGTCTGAGGGGGCGGGGTACAGGGAGAGGCAAATGAGGGCAGAAGCACTCTTCAGA
CGGAGACGGGGCTGACGGCTGAGCAAAAAAGGGGCGTGAATTTGGAGTATTGGCATGAAA
AAAAGGTGGGGGCCAGATGGGGAGCACCTCTTCTTCTCTGCCAATCGCGATCGTCC
GGCCTCCAGGCGGAAAAAGCGTTTTCGCGGGCTTTCAAAGTCCCGCTAATTCGCTCCC
CTCCCTCCAGCGGTGACTCCGCGCTTTTGGCCCGCCCGGGCTGTGCGCAGGCGCT
TCGGGTAGGGGCGGGGCGCGGCGAGGGTCTTACGAAGCGGGGCGCGGTGGGCCAATCA

GAAGGTTTCATTTCGGGTGGCGCGGGCGCCATTTTGTGAGGAGCGATATAAACGGGCGC
AGAGGCCGGCTGCCCGCCAGTTGTTACTCAGGTGCGCTAGCCTGCGGAGCCCGTCCGTG
CTGTTCTGCGGCAAGGCCCTTCCAGTGTCCCGACGCGGAAGGCAACTGCCTGAGAGGCG
>EP74441 (+) Hs EFB; range -499 to 100.

ACAGGGGAGGATACGGATATGGAAGGGACAGGGAACACGGGGATGGAGAGAGTGGAGAGA
CCGACGCGCGAGGATTAGAGGCGTGGGAATACGAGTACCGCGACTTGGAGAGGCCGGGA
AGAAGTGGGGGATCTGGAGAGGGAGAGCAGATCCGGGGATACCGGGAAGTGTATAGGA
CCGGGAGGATCTATAAACTCCGGGCGCGCTTCCCTCAGTGCACGACCTTCCCTAGTT
CTCTGCCCTGCCCTCTCCGCCAGGCCTTCTCTCTCTCCAGGTCCCGCTCGCTCCCCG
AGATCCGCTTCCATTGGTTTGATTGCTTGCCACACCTCCCTTCCCTCCGGCCTCTCGA
TTGGTCTCTGTGCGGGAGGCGGGCTCTGCAGCGGTTGACTGGCTGACCGTGCTGCGCGC
AGGCGCAGAGAGGGGCGCGGGGGGCGGGGGTGGTGGGGCTTCTGGACTGAGCCGCTGAGG
GTGCGGGCTGACCTGTAAGTGGCTGCGGCGGGAAGATGGCGGAGCTGCGCGTGCTCGTA
GCTGTCAAGAGGGTCATCGACTACGCCGTGAAGGTGATCGGGCCCCCTCTCCACATCC
>EP74442 (+) Hs RPL15; range -499 to 100.

GGGGATCTCTCAGCGCAGCTCTGGGGCCAGATTTCTGCGCCCGTCTGCGGTGGCCAGA
GAGGGACAGCGCAGCGGAGACGCGGAGACGAGAGACTCCGAGGGGAGAGCCCGCG
GTGCGTGAAACAAACCTGTTCTCTCTCAGACCTCAAAGACAGCGGCTCCACGCGGTAC
GCGGCCACCGGCTTTGGAGCCTGGACCCCAACTTGCTCTCTCGCGGAGAGACAGTCGC
CGACGCTCGCTTAGCCGCCGAGACCTCGCCGCCAACTCTCTCACCTCTCGAGACGCCAG
GCCGCTCAGGCTCGAATCTTGGGAGCAGGGGGCGGGACAATAGCGGCCGCGGCGCCCCA
CTCGGCAGAACTCCGCCACAGGCGCGATGCCGAACTACATGTCCATGACGCTCTGGG
AGGCCGCGAGCTTCCACCGGAAAGAGGGTGGCTGAGGTGGGGGAGGAGCCAAAAGGCAT
TGTGGGAGTACAGCTCTTCTCTTCCGTCTGGCGGCAGCCATCAGGTAGGCTGCGTTGAG
GATCTTTGCTCTTCCATCCGCTTTGATCGTCTTCTCTCAGCCATCCAGGTCCGGGGA
>EP74443 (+) Hs CLIC1 P1; range -499 to 100.

GGCTGCATGGCTAACGGTTCATCTGCAGTCCCAGCCTTCCACTTCCGAGTTCTTCTCT
CAGACCACAGTCCCAGCAACCCAGAATTTGGATTGGAGTCTGGAAGAAATGCAGAATGAT
TAAACGACCACCTTTCCATTTGAAGTCCCCATCCCTGAATCTTACGGGTGTGCCAAGC
TGTTAGTGTCAAGTTTTTATATGAGGGTCAGTCGGGTGTACTCAGATTAATGAAGCAG
GGAAACTGAGGCAGAAAAGAGTCTGTGTTAGGAGAGGTGCGAGAAACAAGGAGTTTT
CAGGACTCCTCCTTAACACCCCATCCCCATCCTGTGGGAGATCCGAGGATTTCCCTTCC
GGACTCACTCCCTACATCGTCAGTCCCGCCCCCTCCAGTCCCTCCCAAGTTTCAGGG
CGGGGCGGTGCGTGAGTCAGCGGCTCTCTGATCCAGCCCGGAGAGGACCGAGCTGGAG
GAGCTGGGTGTGGGGTGCCTTGGGCTGGTGGGGAGGCCTAGTTTGGGTGCAAGTAGGTCT
GATTGAGCTTGTGTTGTGCTGAAGGGACAGCCCTGGGTCTAGGGGAGAGAGTCCCTGAGT
>EP74444 (+) Hs CLIC1 P2+; range -499 to 100.

GTGTGCCCAAGCTGTTAGTGTCAAGTTTTTATATGAGGGTCAGTCGGGTGTACTCAGA
TTAATGAAGCAGGGAACTGAGGCAGAAAAGAGTCTGTGTTAGGAGAGGTGCGAGAAA
CAAGGAGGTTTTAGGACTCCTCCTTAACACCCCATCCCCATCCTGTGGGAGATCCGAG
GATTCCCCTTCCGACTCACTCCCTACATCGTCGAGTCCCGCCCCCTCCAGTCCCCTCC
CCAGGTTTCAGGCGGGGCGGTGCGGTGAGTCAGCGGCTCTCTGATCCAGCCCGGAGAGG
ACCGAGCTGGAGGAGCTGGGTGTGGGTGCGTTGGGCTGGTGGGGAGGCCTAGTTTGGGT
GCAAGTAGGTCTGATTGAGCTTGTGTTGTGCTGAAGGGACAGCCCTGGGTCTAGGGGAGA
GAGTCCCTGAGTGTGAGACCCGCTTCCCCGGTCCCAGCCCCCTCCAGTTCCCCCAGGGA
CGGCCACTTCTGGTCCCCGACGCAACCATGGCTGAAGAACAACCGCAGGTGCAATTGTT
CGTGAAGGTAAGAACACTTCTCTCTCAGCCACCCAAATTCCTGGAAGCCAATCTCACC
>EP74445 (+) Hs CLPP; range -499 to 100.

CGGGCGCGGTGGCTCACGCCGTGAATCCCAGTACTTTGGGAGGCGAGGTGGGAAGATCA
CGAGGTACAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCAAGGTGAAACCCATCTCTACTAAAAATAAC
AAAATTAACCGGTGCAGTGGTGTGCATCTGTAATCCCAGCTACTGGGGCAGCTGAGCCA
GGAGAATGGCTTGAACCCAGAAGGCAGAGGTTGCAGTGACCCAACATCGTGCCACCGCAC
TCCAGCCTGGGTGACAGAGCAAGACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGACGAATT
GGTCGGTAAGGGGACTCGAACTGGAGACTCTAAACTTCTCCAGCCCTGCCACTCAATT
TACTTCATTGGCTCCTCCCTTTCAGGCTCCGTCCCTATCCCCGCTCACCTTAATGGCG
CCCCCCCAGACTCCTGGAAGTGAGCGGCTAGCGAGCGAGCTCCAGGCGCAAAGCACGC
CGGAAGCTGTAGTTCCGCCATCGGACGGAAGCCGACCGGGGCGTGCGGAGGGATGTGGCC
CGGAATATTGGTAGGGGGGGCCGGGTGGCGTCATGCAGGTACCCCGCGCTGGGGCCTCG
>EP74446 (+) Hs APLP1 P1; range -499 to 100.

AGCAAGAAGAGTGAACCTCTGGGTCTGAAGGAGAATGGGCTGGGGGCTTGGTCTCTGGTC
CTGAGAGAGAAGGTGCCAGACTTCTGGATCTGAAAGAGGAAGGGACTAGGTCTCAACTG
CTGCCCTTCTGACTGGGGACATTTTGGAGGCTGTATTCCTGAGCCCTCAACAGAGGAAT
GTACTAGGGGATGGGGTCTCTGATGCTTGATCCTTGGAAAAGGACAAAACGTGAGTG
TCTGGGTCTAAAGAGGGTGAGAGTCTGCGGGAGGACTCAAAATCCACAACGGGCGGAGC
CCATAGCCGACTCCTGGCTGGGCCCTTATGGGGCGGGACGCCTGGAATCTCGAGGGGC

GGGGGCTGGCGCAGGCTCCCGCCCGGGTTCCTCCAGCTGCTCCACTCTGCGCGAAGCCG
CCACGCTATTGTCTGACCAGGAAGGCGGGGCGGCGCGGGGCTGGCGGCGCCG
CGCAGCCCGGGGCGGCGGGAGGAGAGGTGGCGGCGGTGGCGCTGGGAGCTCCTGTAC
CGCTGGGGCCGGGCGGGGAGTGCAGGGGACGTGAGGGCGCAAGGGCCGGGACATGG
>EP74447 (+) Hs APLP1 P2+; range -499 to 100.

CCCAGACTTCTGGATCTGAAAGAGGAAGGACTAGGTCTCAACTGCTGCCTTCTTGACTG
GGGACATTTTGGAGGCTGTATTCTGAGCCCTCAACAGAGGAATGTACTAGGGGATGGG
GGTCTCTGATGCTTGCATCCTTGAAAAAGGACAAAACCTGTGAGTGTCTGGGTCTAAAGAG
GGTGAGAGTCTTGCAGGAGGACTCAAAATCCACAACGGGCGGAGCCCATAGCCGGACTCC
TGCTGGGCCCTTCATGGGGCGGGACGCTGGAATCTCGAGGGGCGGGGGCTGGCGCAG
GCTCCCGCCCGGGTTCCTGAGCTGCTCCACTCTGCGCGAAGCCGCCACGCTATTGTCT
GACCAGGAAGGCGGGGCGGCGCGGGGCGGGGCTGGCGGCGCCGGCGCAGCCCGGGGCG
GCGGGAGGAGGAGGTGGCGGCGGTGGCGCTGGGAGCTCCTGTACCGCTGGGGCCGGGCC
GGGCGGGAGTGCAGGGGACGTGAGGGCGCAAGGGCGGGGACATGGGGCCCGCAGCCCCG
CTGCTCGCGTCTAAGTCGCCGCCCGGGCCAGCCGCCGCTGCCGCTGCTGCTGCCACTAT
>EP74448 (+) Hs GDI1; range -499 to 100.

GAGGGGCGGTTCGGGCGGAGTCCCGGTGCGCTTCGGCGTCTCAGGAGGCCGTGTCGACAAT
GGCAGCCTTCGCGTCTGTAGGGGCGGCCAGGCTGCCGACGCGCGCGCGCCGGCCG
CGGGGCGCGCCGAGACTCCCGGGGGGTGGGCGGGGTGGGAGGTGGGCGGGCGCGCG
CGGGGCGGGGCGGGGCGGGGCGGCGGGTGGGCGGGGCGCGCGGCTCCCGCGCACG
GATTCTTCTGGGCGCAGACCGGCCGCGGCCCGCCCGCCCGCCCGCCCGCCCGCGCT
CTCTAGACTCTCGGCGAGCAGCTGCCCCGCGAGCCGCGCTGGTGTGTGGCCCGGGCC
CTGGCAGCCCTCCCGGAGGCGAGCCGGGAGGCGGTGGCCCTGCCGTTGCGGCGGGG
CGCGGGAAGAGCGGGACTCTTTGACGCGCGGAGGGGTGGGCGACGCGCGACGCGCCG
CCATCTTTGGTCCAGTGCAGTGGCGGCGGCGGCGGTGGCGGCGGCGACTGCTGCGGTGAA
GGAGGAGGAGGAGCCGAGCGGCGCTGGCACCGAGGCCCTGACCATGGACGAGGAATACGA
>EP74449 (+) Hs DEAH; range -499 to 100.

AGACTATCTGAATCAATCCGTAACCTACGCCCCTGAACACCTACTACATGCCAGGTATT
GAACCTAAGCCGCCCTTCATATGCCATCTCATGTAATTATCTCAACAACCTACCAAGTTA
GCAGCAAGGTTTCCAGTTCTGCCTTCGAAGGGAACCTCCTCTACCGGAGATCCCTATGA
CAGACCCTGCGAAATATTTGCTGCATCAGAATGCTACAGGCCGTCAACTCCCTAACATG
CGCAAAAGCGGGCAGCCGATTATCCAGGGTAGTGGATTATCCAGGAGAGTGGATTATCCA
GAGTAGCAGGTCTGGCGGCTGCCCCCGGCTCAGCCCATCTCCCTAGCAACGAAACCC
TTCCGCGCCGCGAGGTTGCTGAGCCCCGCCCCCTCATTGGCGCGCCCTCGCCATCCCC
GCCCTGGCACGCGCTCTGCGCATGCGTACGCTCGCTGGCCCCGCCCTAGCGCCGCGGT
CGGAGCCATTTCCCGATTCTCCATGCGAGTTGCTGTGCGTTTCTCTGTTGTCTCGGTA
GAAGGCCAGAGTCACACACGGTCTAAGAGCTGGGCACCAGGAAGCGAAGGCTGGTAAGG
>EP74450 (+) Hs PSMD2; range -499 to 100.

ACACATAATGCAAGATTTCTGCCTCGACCCTTGGCCTGGCTTTGGCTGCCATCTATTTTG
AATATGAAAATCGCCTCATTGTCCCAGCACCTCACTCATACCTGTGATTCCAGCACTTT
GGGAGGCTGAGGCAAGGAGTCACTTGAAGCCAAGAGTTCAAGACCAGCCTGTGCAACAT
AGCCAGAACCTGTCTCTACAAAAAATATAAAAAATTAGCAGAGTGTGGTGGTACGTGCCCTG
TGGTCTCGCTACTCGACAGTCTGAAGCTGCAAGTGCATATAATTGCACCATTGTACTCC
AGCCTGGGTACAGAGCAAGACCCTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAT
AGAAAAAGAAAAAGAAAAATTGCCTCATTGTAGTAAAAACATTAAGTGCATGTCAAATAC
AATACTAAAGAAAAAGTTTTTCCCTATAATATATACATATATATTTACTATGTATCCA
TGAAAAATTAATAAAGGGCAGTGGCAGCGGAGATGGAGGAGGGAGGATGGGACAAGA
CGCTGGTGCAGTCCCAGCAGCCCCAGCGGCGGCCCTCAGCGGCATGGATGAGAAGCCAA
>EP74451 (+) Hs NDUF1; range -499 to 100.

CTCTTTCGCTGCTCAAGTCGCGTAAGCCGCTTCTGTTTACCACTGTACGGGTCTTCT
GTATCATTGGATTGTGGGTACCCGCTTCTTTCCGGTTCGAACCACAGTGCAGCCTTCGT
CGCTACTGCTGCCGCTTCTCCGGGCTCTGGGTGCGAGGCCGGGCGCTTCTGCGTCCAG
CAGCCCCTTTCCGCCAGGCTTTTGAAGGAAGGTGCACACCTGATCCACCGCTTTC
CTGGAGAAAGCTGCTCTGCCATTTAGAGTCTGAGCTCCGAAACAGCCGTGGCTGCCTG
GGTTGCATTTGGCCCTGCACGTCACTCCACGTTGCGCGCTCCGCCGGGAGTGAAGCAA
AAGACACTGACGGAAGAGGACTGCGAGAGCCGAGCGCCGCTCTCTTGTGCCCTAGCA
GATTCCGTGCGTCTTCCGGAGCCGTACGTGGCACCGCCCCGCTCGCGGGCGGCCGCGGG
GCTTGCTGGGAAGAGAGGCGAAGCCAGGTACCTTTCAAGGACCCAGAAGTAGGGTTTTG
GCCTAGGTAACGGGCGAGAGATGTGGTTGAGATTCTCCCCGGACTCTCCGTCATGGGCG
>EP74452 (+) Hs TBCC; range -499 to 100.

TCCAGCTGCTGCTTCTCCGGCGCGGGCCAGGCGGTGCAATATCCCCCGCTCCATCT
TTCTACCACTACCTGTCCCCCAACCCACCACACGCACTCATCCCTCCCACCCACACC
CTAGTAGCGGATCTCCGGCTGTAAAGGGGTAGTAGGGAGGAGCTGGGGGGAGGGGGAGG
CCTGCGAGTTTCAACCTTGTCTTATAACAAACCCACATGTGCAGTGGCGCTGCTGC
AACTACCCCCAATCCCGGATATAAGTCTGCCCTTTAAGAGGAAAAAAAAGATTCCC

CCGCTGCTCCACCCACCCATCCACAAGAACCTTTGTCTTCCACCCCATAGTCAG
TCGGCCCCGCCCATCTCCCCGCCCTCCGACGACAGAGAACCAATAGGCGAAGAAAAAT
AAGGCCGGGGATCTGACATCATCATGTTAGGCCAATCACCGGACGCGTTGGTGGGAGGCC
TCACGGACAGCGCGCCCGAGGAAGGAAGACAAGAGAGAGGAAGCTTGAAGCCAATATGG
AGTCCGTCAGTTGCTCCGCTGCTGCTGTCAGGACCGGAGACATGGAGTCCCAGCGGGACC
>EP74453 (+) Hs ARHG; range -499 to 100.

GCTCCTCTTCCCCCGAGTCTCCCCACCCTCCCAGGGGTCTGGGGCCTTCCCACTGCTG
AATCACCACCACCTCGACTCCCCCGGGGCTCAGGGCAGGGGCGGGGACTGCCCCAGCCT
CGGCCACCACTCTATCCCTGGGGTTGACTGAAGGGACCAGGCCAGGGGCGCCTTTCTCA
GCATCTTCCCGCGGAGGCTGTTGGGGGCGGGATGGGGGGAAGAGGACGAACGCCTAGCGC
CCAGGGTAGGGCTCCAGGGGTAGGGTGGCCAGGAGGAGCGGAGAGACTTGACCTTGGG
AGGCTGACTTACTGACCGCAGGGGCGAGCGGACTGGGAGGGGAACGTGGCAAGCCCGGGA
CTGGGCGGGGGCGAGGCTGGGGGCGGGCCGGGGCTGGAGAGGGGGAGATCGGCCCTCGG
ACTTCTGCTGGGCCCCGCCCGGGCCGCCCGCCTCGCCGGCCGCCCGCCCCCACTTC
CTCCGGCCTCCCGCTCTCACTTCTTCTCGAGCCCGAGCCGCTGCCGCCGCCCGAGCT
CCCCCGCCTCGGGAGGGCACCAGGTGAGGCCCGGGGCTGGCGGGTAGGGGTCCGG
>EP74454 (+) Hs AARS; range -499 to 100.

ACCAAATTCAAGGTCTCCCCGGACAAGTGAACCATGGGACACAATGTGAGACTCTTTGA
GGGCTGTGTATCACTCAGCACTAAATAAACAATATAGCAAGATATGTAACCTCTACC
AAACACGTTACCGTCTCCCTTTTAACTATGTCAATTGTGGTGTAGGACTTTGCCTAT
GGAAACCAAAATGTGACCTCCGGGAGCCGGGGCGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG
GGGTCTAACTCGATCATGTGACGCACCCCATCCACCTTTTCTCGAGTTGCATCAGCCA
AGTTAGAGCCGCTTCCAGGAATCCACTAATGAACGGATTCTGCTCAGTTTACTGAGTGGC
ATGTTGGTTGACCAATAATATCTCATGAGTAAGGCGCGCGGGGCACTTTCGTCGGCG
CGCTCTGATTGGACGGAGCGTGGCGGGTGTGGTAGGTCGTGGTCTGAGGCCGTACAGC
TGCGCGTCTGCGGGAATAGGTGACGCGGGCCTTGGCGGGGACTCTGAGGGAGGAGCTG
GGGACGGCGACCCTAGGAGAGGTAGGCCGCCCTCGGAGAGCTCTGCGGTGCTAGGAGAGC
>EP74455 (+) Hs RNPS1; range -499 to 100.

CCAGCCCGTCTCTCCGAGCTACTTCCGCCCTGCGGGCCCCACGCCCGCCACGCACGGC
CGCAGAGCCTGCGAACCCCTCTGTGCTACCACCCCGCCGGCCTCAGCACAGCCCGGCC
GGAGCCCCGCTCCACCGCCGGCGACAGGGGCCGGAGTCTGCCCGGGCGGGCCAGTGCG
CCCGCGCAAGGAAAGGGGCGGGGCGACGGGCGCGTTAACACCCCTCCGCGCCGGAGGACGAG
CCTCGGTCATCGCGCTGCCCTCCCAGGTTCAACAGGCTACCCATGTGCCGCTCCAGTAA
GCGTGAACCAAGCCCGGTAGTCCCAGGGACTTTACCGGCTAGGAGACACCTTGAACGTC
CCCAGCGGACTCCCAAACTGCCTTGACTCTTTAACGCTTCTCGCTGGCGCCATTG
GGCCAGGCGTTTACGTCATCGCTGCGCGCCGGGCGGGCGGCGACTTCCCGCTCCTTGACTC
TGACGTCAGAGCGGCGCCGGCCTCGGCGGTGAGGAAAGCAGGAGGAGGTGGCGGCGCG
GGAAGATGTAAGTTGGGGCGGAATCCGACTGCATCCGTGTTTCGGGGGCTGCCCGGCAGG
>EP74456 (+) Hs ILF2; range -499 to 100.

TTCTCCTGCTTCGAGTTTGTAGACGTGCACTGTTTCATAGTTGCCTAACTCCCTTTCCC
CATCAACTTCAACTGCTAGTGCAAAAATAGCTGATATTGGTTGCATTTTGGAGTAGGA
AAATTGGCAAGATATTTTCTTCACTAAAGAAACGTAGATTACGTATGCCGTACAGGGCA
ATGAAAAAACTCCGATAGCAGAGGATGGTTTCGATCCATCGACCTCTGGGTATGGGCCC
AGCACGCTTCCGCTGCGCCACTCTGCTATCTAGAATAAAATTTCTCATGATTGTTATAG
AACACTACGTAGTCGTTGTCTGACTTCTTTAGTGCCACCTAATGTCTGATCAAAAATTC
GTCATTACTATAGAACCAGTTCTTATTGGCTAGTTCTTGACACAGTAGCGTTTTTTATT
GGTTCATAAGCCCGTTTTGACAAAGTAAGCCAATAGGCATAAGCGATGGGGTAAGGCGGG
AGCCAATCGCACCGGTTTTATTGGGACACGCCGGAAGACGCCTCTTCAGTTGTCTGCT
ACTCAGAGGAAGGGGCGGTTGGTGCGGCCTCCATTGTTCTGTTTTAAGGCGCCATGAGG
>EP74457 (+) Hs TFAM; range -499 to 100.

CACACGGAATTAAGCTCTGCGGTAAGGCCTTGGAATCTGCATTTTTAGGTTTGCGAATCC
CCGCTCTCCGTTACTATTTCTGAACTCCGAGCTCCAGCCCTGGCTTGAAGTACGACGC
TCCGCTGGGCGCGCAGCAGCCCGGATCGGACCTCGGGGCTCTGGATGCAGGACTGTCTG
TTACGTACAGCCCTTGTGACCGTCACGGGCGGACACCGGCAACGCCGGGTGGGGTGAG
GCCGCCGCCGCGGTCCCTCCATACCCCTCTGGCCCGGCGAGGAACCCACTGCTCCGGG
CGGCCGGGGACAGAGGTGGCTCAACAGCGCCGCTCGAAGCCAGAGCCCTCCGAGGCTA
GAGGATTGCGGTTTTCCCTTCACTCTCGCGGCTCTTATTCCTCCCCGCAAGGCCGCCAC
CGGGGTACGCTCTCCCGCGCTGCGCCAATTCCGCCCGCCCCGCCCATCTACCGACC
GGATGTTAGCAGATTTCCCATAGTGCCTCGCTAGTGGCGGGCATGATAACACACGCCGGA
GGGTGCGACGCGGGTTCCAGTTGTGATTGTGAGATTGTGATTGCCAGGAGGCTCTCCG
>EP74458 (+) Hs IDH3G; range -499 to 100.

CCCGCAGCGACGGACCCCTGAAAGGCCGGACCCCGCATCCCTCCTGCCCCAACACCACC
TGCCGTGGGTGAGAGGCTCGCAAGAAAGAGCCCCGGCTGGGCGCTACCTGAGCAGCGG
GAGAGGCTGGACAGCAGGAGCAGCGCCAGGGCGCCGAGAGATGCCATCGCCGCCATCGCC
TCTTCTCTGCCTAGAGGAAAAAGAAACGAGCTCCCATGAACACGAGGGGCAACGAGGAA

GAGCGACGCGTAAGTGGCAGCGGCAGCCAATCGCGCACCGAACGGCTGGGCCGGCATTGT
GACGTCTCTGGCAGCACTGACGTGGCCCCCTCCCTGAGCCAGGGGCCAGCTGGTCGCGGT
CCCCCCTCAACATGGCGGCAGCGGTGCTCTAGGCGCCGGAAGGGGGCGTGAATCGGTGC
GACCGCGCGCTGCGCAGTACCGGGTCCGCGCCTGTCCCGAAACTTCGACCCCGTCGA
ACTCTCGCGAGAGCGGTATCTGCGTGTGGGACGTGCGGAGGCTCTCACTTTCCGTGTCG
GCGCTGAAGGTAGCGACCGTGC CGGCAGCGCCGGAAGCGGTGCTCGGGCCAGCCCTT
>EP74459 (+) Hs H2AFY; range -499 to 100.

TCTTGGCTGTTTCATATCCAGCACCCAAATCGATGTATGACACAAAATACGTTCTCAGTA
CTTAATCGAATTAACGAATGCATGAATGGCAGGTATTGGACATTGTTTTGCAAACCTTTA
AAGTAAGGTGTAAAGCATCCCGGTGAGGTGAGGTTACTGCCGCTGCGATTCCCGCGCAG
CCTGAGGACTGGGGGTGGGGGTGGGGGTCTCTAATTACCTCCATAATCCCCAGTAGCGG
CACTTTAAACTTCACATCAACCCTGAGGGATGTGATTATTATCCAAATTTAGTTCACAG
CTGGATGGAGAAGTGGCTTCCGGCTCCACACTTTGGAGGGAGGGGAGTAGAGGGCAGGCC
CCCATTAAAGTACCCGGGATGGGGCACCAATGCCTTCAGGCGGTAAACCAATTTAGGAAG
ACGTGGCGGGCTTTGTGGCGGCTCCTCCTCTTTGGCCTGTCCGCAGTTTTTAAAAAACG
TGTGTGATGATAAGGAATCACTGTCTACATTAGTAATTCCTCAACTTGGGTCCGAAAGTGA
ACTTTTGCTGAAGCGAAGTAGCTAACCCTTCCATGTGCAAGGCAGGTTCCAGACTTCGG
>EP74460 (+) Hs TCE1L; range -499 to 100.

ACTTTAGGAGCCGTGTATACAGCTTCTCATCAGATCCTTACAACAGTAGTGAAATAGGT
ATGATGGTAAGTTTCCATATGAGAAAACGAAGCTGTGGGAGGTGAATTTTTTCAAGTAA
CATAGCTAGTAAGTGGACAAATCAAAGTGGCTGGTTTACCACGAAATTAACATATTTAT
GTGCCACATGATGGTGAATGAACAAATACGTGCAAGTAATCACAGCAGTGGGCACTCAAC
CACTAGTGCGGAGTCTAGACTAACTGCCACTAGGTACCCCATCTGATCCACACTGGCGC
CATTCCCAGTTCTTTACATTCATCCCTTGTTCAGAAAGGGCAGAGGAAGCGAGGAAAA
AGTGCGTGGCCTGAAGTGACGCTGGCGTTGCCCGAAGCCCGCCAGCGCTGCCAGGTGA
CGCCACTGCGACACAAAGCGGGGATTGCGTAGGGAAAGGCCCTAGGCCATAAACGGGGG
TGGGGCTCCCCGGAGGCCAGTGCGCGGCCGCGGTGCTTACCGGCGTGTGCTCCGCCC
CAGGGAGAGCCGGCGCTACCATGGAGGAGTACCATCGCCACTGCGACGAGGTACCGCCCC
>EP74461 (+) Hs NOLC1; range -499 to 100.

CTGGGTATTGGAGGCAGTGAAGATGAAGGGCGAGAATCCATTGGCCGTGCCAGTACGCCA
TGGGGGCGGTGGGAGATCTGTAGAACAACGTGTCGAGCCCGCTTGCTCACTCATTACT
CTGGAATCCGAGTCCCAGCAGGGGCGGGGAAACCGTGCTCTGAGAAAAGGTACCTCCC
CCAGAAAGACTGCGCGGGAAGTCCCGAGTTTCCCGCCAGCCGAGGGCGTGATCCCTGA
CGTCAGAGCTCCGCTCCACAAGCTGGCGGCGGTGGGCTCCGCCCCAACCAGATGGC
GATACGCGTGGGACCGGAAAGAGTTTATAGATTTCCCGTCTACCCTACCTCTGAGGTGAA
GGTGGGACTGCCCTGTGGAGCCACCTTTCCGTTATGCGCCCGCGCGGCGCAATGACGT
AACACAGGCCCGCCACTGCCCTGTTGGGTTCTGAGTCGTGCTGCGTCGACAACGGTA
GTGACGCGTATTGCCTGGAGGATGGCGGACGCCGGCATTGCGCGGTGGTTCCAGCGAC
CTGTATCCCCTCGTGCTCGGCTTCTGCGCGATAACCAACTCTCAGAGGTGGCCAATAAG
>EP74462 (+) Hs PSME1; range -499 to 100.

GACAGGCCAGGTCTTATCCATCTCTAGGGAAAGACGGAAGAGCCCTAAGTAAAGCTTAT
CTGTCCCAGGCGGAGCAGGGGAAGAAGAGAGCAGGTGGGGAGCCAGTTGGGAGGCGGGAG
GTGGAGGTTGGGACGCGGAGAGACTGGCTTGGGCTTGGCGATGGGAGGACCCGGACCCGC
CGTCTCAGGCGGCGGGCGGCGAGGTGGCGGGAGGCGGGAGGCGGGACCGGGCCAGCGGA
GGTGGGGAGCCTGGAAGCTGGCCCTCGCGAGGCGGCGGGGAGGGTGGGTGAAGAGCGC
CTGTGCGCGTAGGCGGAGCCTACCCGCCGCCCTCCTTGCGGCACCGCCCCCTCCATG
GCAGGGCTGACCCCGCCTCCTCCATCCGACCCCGCCTCCTCCAGCCCTCCCCGCCCCACT
ACCCAGGAAGGCGGAGCTGGGTGCGAGCGCCCTACCGCTTTCGCTTTCCTTCGCGGTGC
CCACTCCACTCCTTGTGCGGCGCTAGGCCCCCCGTCCCGGTCTAGGCCATGCTCAGGGTC
CAGCCCCAGGCCAAGCCAAAGGTGACGCGCCGCGGGGTCTAGAAAGGGCCACTGGGGAGG
>EP74463 (+) Hs CPE; range -499 to 100.

CAGCAAGACCTTCTAATAAATGAAAACCAACCCCTTGGGTTTGTGTTTTGACTCTTGATA
CAATTATGAAAGACGCATCAGGAGATGGCAAGTGGCTGCCAGTACTTCTTTTTTCTGGA
ATATTCTCTAATTCTTGGTGGATCAAGATGGAAACTGGTAGGCTTGGAAATAGATGTCCCT
TTAAAAGGCTCCACTAACAATAACAAGATATTTTTTCCATACGCAGTGACGTGGGTGGGT
CATGGGTGTCTCAATGACAGTAACGTTCCCGAACCCCGACCTTAGCTGTCAATTCACCT
GCGTCGTCCCGACGCCATTTGGCTGTTGACGTGGTTCCGAGCCAGCAAATAACGCCAGC
AGCCCTCCCAGATCCACGCCGCGCCGTCTCCGCGGCCCCCTCCTCGCAGTGTTTCT
CCTGCAGCTCCCTGGGCTCCGCGGCCAGTAGTGACGCCGTGGAGCCGCGGCTTTGCC
GTCTCCTCTGGGTGGCCCCAGTGCGCGGGCTGACACTCATTAGCCGGGGAAGGTGAGGC
GAGTAGAGGCTGGTGCGGAACTTGCCGCCCCAGCAGCGCCGCGGGCTAAGCCAGGGC
>EP74464 (+) Hs HSPA5; range -499 to 100.

ACTGGTCTACTCAGAGACTGGATGGAAGCTGGGAAGAGAAAGCTGCTTCCCGCTTCGGGG
TGAGGGATGGAGGAAGGGAGAACAAGCAGTAGAGAAGAAAAAGTTTCAGATCCCACAGCC
CCGGGGGGTCACTCCTGCTGGACCTACTCCGACCCCTAGGGCCGGGAGTGAAGGCGGGA

CTTGTGCGGTTACCAAGCGGAAATGCCTCGGGGTGAGAAGTCGAGGAGAGATAGACAGCT
GCTGAACCAATGGGACCAGCGGATGGGGCGGATGTTATCTACCATTGGTGAACGTTAGAA
ACGAATAGCAGCAATGAATCAGCTGGGGGGGGCGGAGCAGTGACGTTTATTGCGGAGGG
GGCCGCTTCGAATCGGCGGCGGCCAGCTTGGTGGCTGGGCAATGAACGGCCTCCAACG
AGCAGGGCCTTACCAATCGGCGGCCTCCACGACGGGGCTGGGGGAGGGTATATAAGCCG
AGTAGGCGACGGTGAGGTGACGCCGCGCAAGACAGCACAGACAGATTGACCTATTGGGG
TGTTTCGCGAGTGTGAGAGGGAAGCGCCGCGGCCTGTATTTCTAGACCTGCCCTTCGCCT
>EP74465 (+) Hs DAZAP2; range -499 to 100.

AATGTTTTCTCCAAAGCAGCTTTTTGCTAAGGAGACAACCCACCCCCAATTCCAATAAT
GATTAAACACCCTAGAAATTGTCTTATAAGCCAGCAAGATAACTTTAGATTTGAATAAT
TATCAGTTAGACTTCGGGCTGTTGATCTTGGATTTCAGTGGAAGATCATACTCTTCATTT
AGTAAATTTACATACAAGGTTTGAGTACCATGAGCCTCCTACTGGAAAAGTAAAAAGAG
AGGCATAATTCACAGTTCTTACACTGCTGGAAAGGACTCCCTCATTTAAGAGATGAGGAA
ACGGGCCAGGTGCAGTGGCTCATGCCTGCAATCGCAGCACTTTGGGAGGTAGAGGCAGGC
AGATAGGCCAGGTGTTTGAGATCAGCCTGAGCAACATGGTGAAATCCCGTCTCTACTAAA
AATACAAAACTGCGGCGGCAGCGCCACTCAGGCGTTGGGTAAACGCTAGACAGATGGACT
GTCACGTGACATGAAGTGGCTCCGAACAGGAAGAGGACGGAAAAGATAACCGTCCCTGAT
GCCGAGAGCAACCGGACCTGCAGCCACCATGAACAGCAAAGGTCAATATCCAACACAGCC
>EP74467 (+) Hs QDPR; range -499 to 100.

GGAGCCGGGCTGGCAGGAGCAGGATGGCGGCGGCGGGCTGCAGGCGAGGCGCGCCGGG
TGCTGGTGTACGGCGGCAGGGCGCTCTGGGTCTCGATGCGTGCAGGCTTTTCGGGCC
GCAACTGGGTAATGCTGCGGGCTGGGGCTGCTGGGTCTCCGCGGGGTGGCCGGGGCTT
TCGTGTGGAACCCGGCGGGGGCAGTCTAGAGGAAGGTGGGGGCCCTGTGCACCCCTG
ACTCGTGTGCTTGACGTGCGCGCACAGGTCTACGCGTCTATTCTGTTTCCGAGTGCG
TGCGCACGCCAGTCCCAGGGCGCTGGGCCCTTGTGTGCAAGGAGGTGCTCCGTGGGCCT
CCGCCAGACCCAAAAAGTCCGCGTGACTCGGGAGAGAATTCCAAAGGGGAGGAACGGGA
GCAGGGGTGAGAGGACGGAGAGAGAGTGTAGAAGGAAGGCTCTAGAATGAGACAGCCAG
TCCCGGTTACTAGTCATGAGACCGCGTATTGATTACCTAACGCCGTAGGACCTCGGTTTC
CCCATTTGTACAACGGAGATTCTGACAGTGAGAGTTGGGACGATTAGATGAGATAATTGG
>EP74468 (+) Hs HSD17B4; range -499 to 100.

CACTTGTCAAATGTTTTGCCCTTGAGATTCTATTTTGGGAGGTAAGCAGTGGGGGTC
CAGGACTCTGCATTTTGACAGTCCCCTGATGTTTGCATGTAGAAGTGCAGGGATTATTAC
ACTGACAAATCTTTACCATTCTAAGGGGACTTTCTTCCAGGGGCTATCTCTGGAAG
CCCTCAAGGATAGGGGCGCATGCTGTTTCTTAGGTACGCAACTAAACCCAGAAAACG
TTTATTGAGTGAATGATGAAACGACAGGTGAATAGATGAACGCAAGGTGTCGAGTTAACT
ATTCTTCTACACAAGTCTTAGCAGCTCCCATTGCTTCCAGCCGAGAAATGGCCCTGGA
AGGCAAGTCTTCCAGCGAGTGGAGTCACTCTTAACCTACATTTCCAGGATTCCAAGGGAG
CCGCGCGCTCTGCGCTCATCTTCTACCAGAAATCGGCAAGTCACTGACCCTCGTCCCGC
CCCCGCCATTCCCCGCTCCTCTGTCCCGCAGTCGGCGTCCAGCGGCTCTGCTTGTTG
TGTGTGTGCTGTTGAGGCCCTTATTGATGGGCTCACCCTGAGGTTGACGGGCGGGTGG
>EP74469 (+) Hs SPARCL1 P1; range -499 to 100.

TTCTTAGATACCAACCATTATAACCATGGAGTTACAGTGGAGAGCTGTGTTGAGGGGAGA
ACTGCAACATTTCTGAATCAGCATACAAGTGATCTATAATATAAGGAGCAATCATTTTAT
TATATGTCCATTTCAAATCTCATTCAAAGAAGGTTAAGGTATCTGAAGTACCCTTCTAT
TAAATTCAGACTGTATTTGCTAGAACAAATTTCCAATTGAGCAACGTAAAAATGCATCTG
CTGCCATTTCTTCTTCCCTCCTTTAATCCCTACTCCCCAATTTCTTTAGAAAGAAAC
AACAGCATGGAGTTTCTTTCAAGGTCTTAAATAAAAAATCTCCAAAAAGGGATGCTGC
TTATAAAACCTTTAGAGTTGTTTGAAGGAGAAAAAAATGCATAAAGAGCCAAGTGCTT
ATATTCTGGCCAAGTTATGAGGCTCTGAGAACAAGAGCTTGAGGGGAAGACTGTTAAACC
CATCCAGCCACCAAGAAATAGCTCTTTCCCTTTTGGTTTGCAAGCACTGCCTGTAAAGCC
CTCGCATGAGAGGCCAGCCTGCTAGGGAATCCAGGAATCTGCAACAAAAACGATGACAG
>EP74470 (+) Hs SPARCL1 P2+; range -499 to 100.

GACTGTATTTGCTAGAACAAATTTCCAATTGAGCAACGTAAAAATGCATCTGCTGCCATTT
CTCTTCTTCCCTCCTTTAATCCCTACTCCCCAATTTCTTTAGAAAGAAACAACAGCATG
GAGTTTCTTTTCAAGGTCTTAAATAAAAAATCTCCAAAAAGGGATGCTGCTTATAAAAC
CTTTCAGAGTTGTTTGAAGGAGAAAAAAATGCATAAAGAGCCAAGTGCTTATATTCTGG
CCAAGTTATGAGGCTCTGAGAACAAGAGCTTGAGGGGAAGACTGTTAACCCCATCCACGC
CACCAGAATTAGCTCTTTCCCTTTTGGTTTGCAAGCACTGCCTGTAAAGCCCTCGCATGA
GAGGCCAGCCTGCTAGGGAATCCAGGAATCTGCAACAAAAACGATGACAGTCTGAAATA
CTCTCTGGTGCCAACCTCAAATTTCTGCTGTCACTTCAGACCCCACTAGTTGACAGA
GCAGCAGAAATTTCAACTCCAGTAGACTTGAATATGCCTCTGGGCAAAGAAGCAGAGCTAA
CGAGGAAAGGGATTTAAAGAGTTTTTCTTGGGTGTTTGTCAAACTTTTATTCCCTGTCTG
>EP74471 (+) Hs HSPA2; range -499 to 100.

TTTTTTTCCCTAGTAATTTGCAAAAATGTATTATTGCTCAGTCTCCTTAGGGCAGGTCT
AACACCCAGGCACATAGTTTTAGGCCGTATCTTATTCACCTTTGTATCTCTAGTACAAAT

ATTTTCAGATATGAATTTGTTTCAACTTTTGGTCTCTGCAGTGTCAATTTAGTACAGAAAT
ATAAGAGGTAGGCAGTGTATCTTCTACTATAAAGAAAAAACTAAATTTTTTTTTTTGTT
AAATAATGTGTCTCAGGTCACTTTTAATAAATACTAAGCTAGTGATTTACTACTGCTTTC
CAGGCACTCTTCTGGGTGCTAGGAATTAATTACAGAGGATTTGACATATGTTAAAGCTCT
TGTTTTTTCCACCATTAACTGTGGAGCCTTAGTCTTTGGATTTAAAAATACTTTGAA
ACACCCTAGTATTTATAATCTGCCAAAGAGAGAGTTCACCTGTTGAAAATCAGCAATAAT
TTCTATGTAAGACTAATAGACTTTGTTTCAACTGTTGATATGGTTTGGCTGTGTCCCCAC
CCAAATCTCACCTTGAATTGTAGCTCCCATAAATCCCATGTGTTGTGGTGAAAGATAATT
>EP74473 (+) Hs NEDD8; range -499 to 100.

TTCTGTGGCTTGGTCCAGGCGGCAGTTGACCAAAGACCACCTTGCTTAGCAACTAACC
TCGTGCAATCCCCTAAGCCTTCTGGGCCACGCCAACAGGTTCTCTAGTTGCCGGCGAG
AACTACTAGCCGACGAATTCAGCTTCGGCGGCGGCAGGGCGAGGCCTTCTGGATAACAG
AGTTACACGCACTGAGGTTGCTGTTGGATCCGAGGGGGTTAGACTACAACTCCCAGGGGGA
AACGGGCGGGACCGCTCTGGCACGATGGGAGATGTAGTTCTGTTCTGCCCCACTTTTC
GCTAGCCCGGCTCGCCAGGACTCTCAGAATCGCAGAGTCGTCTCTGCTGTTGCTA
AACTGGATGCCTCATTCCAATTTACGACGTCACTGAACCGAAACGCGGGAGCAACCTGA
GCCTTTCCGGAACCCAGTGGGGGGGGGGGGGGTGGAGCCAGAGTGACCCGGAAGT
AGAAGTGGCCCTTGCAAGGCAAGAGTGCTGGAGGGCGGCAGCGCGACCCGAGCGGTAGGA
GCAGCAATTTATCCGTGTGCAGCCCCAACTGGAAAGAAGATGCTAATTAAAGTGAAGGT
>EP74474 (+) Hs ADSL; range -499 to 100.

ATAAGAGTAACAGCAAGCGTACACACGGCCTTCCAAGTGTGCCAGACACCGCTCTAACAC
TGAATCCGCACAACCCGAAAGGCAGGCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTTTTTGTTT
TTTAGAGACGGGAGGGTCTCCCTGTGTTGCCAGGCTGGTCTCGATCTGTCGGCCTCAAG
CGATCCTCCGGTCTGGGGCCCCACAGTGTGGGATTACAAGCGTGAGCCACCGCGCCCG
GCCAAGGAAGTCTTAATGTACCTCTTTTACAGACAGGAAAACTAAAGTGTAGCGCGGCTAA
GTAAACGTAGGAAGCATCAATCATGTTTCTGGTCAAAGAAGCGAACCAAGTCAATTCTCAG
GCAGAAGCAGCGGAGATTCTCCGAGCCGGCAGCGCCAGGGCGCCCGGAACCCAGAGAG
CGAGACCGCGTGAAGGAAGTCCCGCCCCCGCCCGTCTGCCCTGGCCTCCAGGTTTCCGC
TTCCGCTCTTCCCTGGTCCAGTCCACCTGGCGGGGTGCGAGGGTTGGGATGGCGGCTGG
AGGCGATCATGGTTGCCCCGACAGCTACCGCTCACCTCTTGCTCCCGCTATGCCAGCCC
>EP74475 (+) Hs UROS; range -499 to 100.

CTCAGGTATAAACCAACTAGGGGAGCGTGTCTTCTCACCTCGTCAATGACCTCGTCTCT
TTCATCCTTTTCTTCTGTCACTGTCACTGTCTTCTCATCCTCATTTTCGACTTCTTTTC
CTCTTCTCGTGTGCTGGACTTGGGGATCCGGCGGCTGCGGAACCCCACTTTCCACGGC
ACGCCGCTTAGACCTGGACGCCATGTTGCCGCTCACACTGCGCCTGCGCAGCTTCCCCCT
GCCTGACCTTCCGGACCAGCCATAGTAGCCAAGGGGTGAGGAACACGAAGAAGCTCG
GCGCTGAGTGCACGTCAACCCCAATGCCCTGCTGGATTCCGCAGCCATGACCCCTTACA
GTCACGTCCAGTTGCGGTCCATCTTGCTTTTTTCTTCCGCTTCCACCCTCCATCACT
CCTCCCAAAGCTTCCCCTCCCCTTCCCGTAGTGGTTCAACCCATCTAACCTCTGGCCTCA
TTCCGTGGCTGGATGGCGGTGCGCATGCGCGAGCGCTAGCTGCGCGCAGCCACCCACG
CGACCCAGTCTGAGGTGCGGGGTCTGGGGCCCCGGCGCGGTGGCCGCCGCGGGCCCTC
>EP74476 (+) Hs STIP1; range -499 to 100.

TCTTCTTCTCTTGAATGCTTTACCACTTAGACATTTCTTTACCAATACCCTAAATCAT
CTCTTTCAAGTTCAAAGTTCCACAGATCTCTAGAGCAGGGGCAAAATGCCACCAGTCTCT
TTGCTAAAGCATAGCAAGAGTGACCTTTACTCCAGTTTCCCATAAAGTTCTCATCTCCAT
CTGAGACCAATTCAGCTTGGACTTAATTGTCCATATCACTATCAGCATTTTGGTTAAAGC
CATTCAACAAATTTCTGGGAAGTTCCAACTTTCCACATCTTCTGTCTTTGGAGCCCT
CCAAGTCTCTAGGAAGTTCCAACTTTCCCGCACTTTCTGTCTTCTGAGCCCTCCAAAC
TGTTCCAATCTCTGCTTTGACCCGCTTGCAAAGTTGCTTCCACATTTGCGGTATCCATA
TAGCAGCACCCCACTACCTCAGAACCAATTTACTGTATTAGTTCTTCTCACACTGCTAT
GAAGAAATACCAGAGACTGGGTGGGAACGCAGAGCGGACAGATTGATTGAGCGGGGTT
CCGGGCCGCGCTGTGCTATGAAGCAGGTCAATGAGCTGAAAGAGAAGGGCAACAAGGCC
>EP74478 (+) Hs TAGLN; range -499 to 100.

GTCCTCAGGAAAGGTTGGATCCCATGTCCCATCAGAGCTAAAAGCCCCAGGAGGAGAGGG
TGGCTGGTTTGTCCCCACAAACCCCTGGGATTCCCGGCTCCCCAGCCCTTGCCCTCTC
TCCAGCCAGACTCTATTGAACTCCCCCTCTTCTCAAACCTCGGGCCAGAGAACAGTGAAG
TAGGAGCAGCCGTAAGTCCGGGCAGGGTCTGTCCATAAAAGGCTTTTCCCGGGCCGGCT
CCCCGCCGGCAGCGTGCCCGCCCCGGCCGCTCCATCTCAAAGCATGCAGAGAATGTC
TCGGCAGCCCCGGTAGACTGTCCAACCTTGGTGTCTTTCCCAATATGGAGCCTGTGTG
GAGTCACTGGGGGAGCCGGGGGTGGGGAGCGGAGCGGCTTCTCTAGCAGGGAGGGGGC
CGAGGAGCGAGCCAGTGGGGGAGGCTGACATCACCACGGCGGCAGCCCTTTAAACCCCTC
ACCCAGCCAGCGCCCCATCTGTCTGTCCGAACCCAGACACAAGTCTTCACTCCTTCTG
CGAGCCCTGAGGAAGCCTTGTGAGTGCATTGGCTGGGGCTTGGAGGGAAGTTGGGCTGGA
>EP74479 (+) Hs PCK2; range -499 to 100.

CTACAGAAAGGCCAGGACTCAGGGTGTGCGTCCCCAGGAGGAGGAAGTGGAAAGGCAA

TGCCCCAACCCCTAATTCTAGACGTCTGGCCCTGTAGTCTCCCGCCCTGGCCTCGCC
CCTCGTTCTAGCTTGTGTTGCCACCTAGTGTCTCTCCCGGAGCAAGAGTCTCAAAGTT
ACATCATGTGCGGTGGGAGGGCGGTGGCGGATGGGGGGCGGGCCTCGAAGTCGGGGC
CGAAGAGTGGACCCAGTCTCCAATGGGAGAGATGGGTTTGGCGGTTTGGAGGCAGGGGT
TGGGGCGGGCTGGGCTGACCTGGAGCCTGGAGCCCGGGGCGAGGGAGCTGGCCTGC
CAGCGGGGCGGAGGAAAGCTAGTGCCAGCCCTACCAGGTTCCGCCCCCGCGCTGCCCC
CTCCTTTTTAAGCGCTCCCGCCAGCCTCTGCTGTGGCTCGCTTCGCCGCGCTCCCTCCT
TCCCGCCTTCCATACCTCCCGGCTCCGCTCGGTTCTTGGCCACCCCGCAGCCCTGCC
CAGGTGCCATGGCCGATTGTACCGCCCTGGCCTGCGGTGAGTGACCCCGGCCCGGGG
>EP74480 (+) Hs CRI1; range -499 to 100.

TTTGTGAATTTAACTTTTTAAATGAAAACACTAAAAGGACAAAATGGATTAGTTCTTAAT
ATGCTGATCTGTGGTTATGGATGTTGTCTGGTTTGGAGACGTGGATTTACAAGTCATCAG
TACATCGGTAATTTGCCAGGGGAAGAGGAAGGGGGGAAGGAGCATTAAATGTTACGAA
GGCCATGTAAGGTTATTTCCGGTTTGCAGCATTACAAGCAGCAGTAGGGTTAAGTAACA
CAGAACTGTTACGCTCTTGCATGCAGGTCCTAGATACGAAGTTCAATCGATGGAAA
CGTAGCTCAAAGGCGACGCCAACACCCCGGAGAAAACACTGAGCTACTCCAACACAGT
GGCGCGCCAAGTAGGAGGCGGTACCTGAGGACCACGCCTGCGCGCGGGGTTACGCAAGCG
CGCAGCCTTTGCGCACGCGCACGAACGCACGCGCGCAGCATCTGTCTTGTGGAAGCT
TTTTCTAGAGGTTGAGCGGTTGACAAATGTCGGAATGGCTGAGTTGTCCGAGCTGTA
TGAAGAGAGCAGTGACCTGCAGATGGATGTGATGCCTGGCGAGGGTGACCTTCGCAGAT
>EP74481 (+) Hs MRPL49; range -499 to 100.

TTCCTGGCCGTCACCTCGAAGGTGTGTAGTCTCTGGGCGCGGACAAAGAGCTGCATATT
GGCGACTGAGTAAAGAAAAGACGGCTTGTAAGAGAAGCCAAGAAATGCTCTGGGATAAAG
GAGATTTGGGAGTGGAAAGCGGTCCAGAAACGATCGCGACGGGATGGTGGTCGCGCGGC
TCACGTGGGGAAGGCCAGGCCTCCCAAGGAGTTTCGGATAGGGACTGGAGCAGGGCCACGG
AGCAGGCCCCGTCTTCGTTCCCCCGCGCTTCTGACCCCGCAGCCAACTGCTACAA
GCCCTTCGGATCCAGCCAAGGCCCATTTCTTACCTGAACGGCGGTCCCAGCTACCGCGAA
GATGGAGTCGAGAAAGAGGAAGAAGCGAGGGCGCGTCAGTACAGACCGTGGGCTGCGTGT
CACGTCACTGCTGAGCGACCGCGCGGTTCCCTGCTATTTGTACCGCCAAGGCAGTCTTA
GCTCCGCCCTTTACGCTCGCACCGGCGAACCTGCCTGGGCAGGCAGCTCGCGCAGGACG
GGGCGGACAGACAGTTGCGCGCACAGAAGGCTGGCGTAGCAGGTAAAGATGGCAGCTA
>EP74483 (+) Hs TMSB4X; range -499 to 100.

GTCCTCTCCCTCAGATAAACACTTAAAGCAGGGCTTAGGACCTGCTTTCTAGAAACAA
GTCACTGTCTTTGTAGTTTCACTTGTGGTCTTGATGGGTACGATGCAACAATGAAGCT
GTAGCAAGTTAGTTGGCATATGCTCTATAGATGTAACACATGGTGAAGGCACAGTTCCA
TGCCCTATCCCATATTTAGTTTCACTTGTTCATAACCTGTAGTTGAATCTGAACTTT
ATAAAAAGCTCACTCACATTTGTTTACTGAAACATGCTCTGCTTAATTAATATGTTCT
TACACGTTTGATAAACTTATCTAAGTGTGTGATAGAATTAAGTACATTTATTAGATG
ATACTAATTGCTTACCTTTGTATTTGTTTAGATTCTCAATCTAGATAATAGGCTTCTTAG
ACAAAGATCATAATAATATTTCTCAAAGAAGTTAGCAATATAGAAGAAATGCAAACATTA
TTAAAAATATTATGGCGACAACCTCGGTGGTGGCCACTGCGCAGACCAGACTTCGCTCGTA
CTCGCGCGCTCGCTCCGCTTTCTCCGCAACCATGTCTGACAAACCCGATATGGCTGA
>EP74484 (+) Hs TNFAIP1; range -499 to 100.

CTCCTCTCGCCCTGGTCCGCCCCGCTCCCCGACCCGAGGTCAGCCTACCTGCCGGCCC
CGCGGCGGCAGCGCGCTGCAGCCAGGCTGATGTAGACAGGCAGCTTCTCCTGGGTGAGC
GACAGCCGGTACCCAGCCAGCCTGCCACGGCCGCTGCCACGGATACAGAGCCTGTTTACC
TATGACGTCACTACCTTCTGACTCCGGAAGCACTTACAGCCCCATTCCACAGAGCCTG
CTGGGAAACAGAGGCCCGAGGGGAGGCCCGCCTACAAGACCCAGAAGCCTTAGCGCCGG
CAAGGCGGCCAGAAGTAGCTGTCTCTCCGCGAAGACCCTCGGGGGATTCCGCCTCCA
CCCTTTCCGGATAGAGCGTATGCTATGCAGGGACTTGTAGTCTCAGGCTCCCCAGCCGG
CTGGGCTGGGCAGCACTCCGGGCGGAGTCGACGAGCGCAGGATGTGAGCTCACAGCTTGG
GACTGCTGAGGGGAGGCGGCTGCAGGCTAGGGGCGGCTCGGAGTCCGCTGGCCACCCAG
CTGAGAGGAGAGGCGCCCCGGGACGGTGAGAGCGGGCCCGCGATGCCCTCGGGGAA
>EP74485 (+) Hs IER3; range -499 to 100.

CCGTCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCTGGGCGTGGTGGCGGTGCCTGTATTCCCAG
CTACTCAGGAAGCTGAGGCAGGAAAATCGCTTGAACAGGGAGTCAGGGGTTGCAGTGAG
CCGAGATCGCGCTCTGCATTCCAGCCTGGCGACCGAACGAGACTGCTCCATCTCCAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCTGTGAGGGATCCTGTGGCTAAAGTGAGCCCTCTCCAGGTG
CCACATGCCTCGACATGTGCCTGCAGCCCGGGATCTACCCACCCCACTCACGACTCAC
ACACTCACAACGTGCAGTTGGGCGCCTAGGATTGTGCATGTCAAGTCTCCACCACTCCC
TTTGTTTAATCGTCGGAATTTCCAGCCCGCTGCTGCCAACCGCTCCCCAGCTGCGGGAGG
AGGAGTTAGAAGGACCCGCCCAATTTTCAGGAGCACATAAATTACCTCTGCCGGCAGCCG
ACCCTCACTTGGCCTTACACTCCGCTCGGCTACCATGTGTCACTCTCGCAGCTGCCACC
CGACCATGACCATCCTGCAGGCCCGACCCGGCCCCCTCCACCATCCCGGACCCCGGC
>EP74486 (+) Hs DCN; range -499 to 100.

ACTGTGCTATGGAGTAGAAGCAGGAGGTTTTCAACCTAGTCACAGAGCAGCACCTACCCC
CTCCTCCTTTCCACACCTGCAAACTCTTTTACTTGGGCTGAATATTTAGTGTAATTACAT
CTCAGCTTTGAGGGCTCCTGTGGCAAATCCCCGATTAAAAGGTATGGTTTTCAATAATT
GTCCTGAAGTCTGCTACAGACTAATAAACTTCGGTCAAGTTGCGAGCAAAAGGGATTAT
TTGGTGAGAAAAAGAAAAGGAAAAAACTGTAACTTTTATAGTTTTTATGCAACA
TTTTAAACAAGTATTATTTGAAAACAGAAGTTAAATATTTGATAAAATGATTGAATGCAT
TGTTTTATTTCTTTCTTTCTGTTTTTGCAGAGATGCTTCTTAAAAAAGTGAACCTAAC
ACCATGACTCTCTATATTAATGTTTTTGTGTTTGTATTAATGAATGTTTAGCTCTTCAAG
AGATGGTAACCGAAAAGTATTCTGAAGTAGCATATCTGTAATTGACCTATATATTTAAAA
AATGTATTTTTCTCCTGAATTTTTGATTGCTTTAAGGACTTTTAAAAGCCAGAAGAACT
>EP74487 (+) Hs BAD; range -499 to 100.

GGAGGAGGAGCGGGGAGCGGGACTTTCCGACCGGGCACCAGTCCAGGCGGAGCGGTAAC
AATAGCAACAATAATCACATCCGACGGCTGAGCTTCAGTTGTGGCTGTGCCAAGCGCCTT
CGCCCGCAGTAATCACTCCCTTCACAAAGTTTTACTGGCTCCCGGGGAGCTGTACTA
TCCCACTTCACTGGGGGAACTAAGGCCAGAGGGGCTGAAGGACTTGTGGCAGAAG
TGGGTCTCCAGGTTCCAAATGGGGACCCAGAGAATCCCTCTCTGCTCCACACACGCC
CAAGGTGTGAGGCAGCGAGGATGTGAGCCCCGGGGCCGAAGGAGGAGGAAAAAGGATGC
GGACGAGGAGCCTTGATCCGCGGGGGGCGGGGCCGGGTTGACCCCGCCTCTG
GACCTACCCGAGTGACGTTCCGAGAGGTGATTGGGCCAGGTCGCTGACAGTTCCCGTTGC
CCAAGCAACTAGGGCCCGAGCCCGGGTGTGGAGGGAGGCGGAGGCGGGTCAGGG
GCCTCGAGATCGGGCTTGGGGTGAGACCTGTGCGCGTCACACGGGCGGGGCGGGCCT
>EP74488 (+) Hs ECHS1; range -499 to 100.

ATGTGGCGTTCAAGTGCCACGCCGTGCCACCGTGCCTGGCCCTGCGCCTGGGCGCGCTG
TGTCGCTGTACAGACGCCGGCGGGCAGGCGGGCAGGCGGGCAGGCGGGCAGGCGGGCA
GGCGGGCAGGCGGGCAGGCGGGCGGGGGAGGCGGCGCAGAGCCGCGCAGGCGCGCGCT
TGCTCCGCCTCCGCGCGGTCTCCCGGGGCCAGCTGGGACCCGAGGCTGGGGCGGGG
GCGGGGGCGCGGGCGACTGCGGCGGGGCTGGAGGGCGCTGGTCCCAGCCAGGGCGGGG
TCCCGGGGACGCCCCCTCGGCCTTAGATCCGCGAGCGGCGAGCTCGGGCCTGGGGGCGGGG
CTGGCGGAGAGCGACCCGCTCACTCTGCCCGGGCTGATCTCGCGAGGGCGCCTGGTCTC
GCGGCGCTGGCTGTGGGCGGAGCGAGCCCTGAAAGGCTATAGGCGAGGGGGCGGCTCCG
CGGGGCGGGGCGAGGAGTCCAGAGAGCCATGGCCGCCCTGCGTGTCTGCTGTCTGCGT
CCGCGGCCGCTGAGGCCCCCGGTTGCTGTCCCGCCTGGCGTCCCTTCGCTCGGGTGA
>EP74489 (+) Hs ATP1A1; range -499 to 100.

GGCTGCAATCACACCCGAGCGCCAGCCCCCTCCAGCATCCCTGAGTCCCAGAGGAGATCG
CCGAAGCGCTGGAAGGCCGTTCCGCCACGACTTCTGGTGCCGGGTGCGCGGCGACTGG
GGGAGCCAGTTCGAGACCGTACCGCACCCACTGCGGACCTCCTGGGCCCTACATAGTA
GGCGGGTCATGACAGGCGAGCGGGAGGAGGGGCGTGGGAGGGCAAGGCCGCCGAGTCCCC
GCTGTTCAAGCAGCAGGAGCGCCCCGAGCCCTCCCGGGACAGGTGGACAGCTTGTCC
CAGACCTGGGCGCCCTCCTGCCGGGAGCCAGGACTGGCCGCGAGGCGCTGTCCGGGCC
CGTGGGCGGGGTTTCGGGAGGGGGCGGAGCCAGGCCACGGCCGGTGTAGGTTGTCTCCG
GTAACGGTGACGTTTCGCGGCGTGGGCGGGGCCAGCACGAGGTTGCATATTTAGGAAG
TGAGGAGGAGGCGCGGGCTGGAGCTGCGGCGGGGTCTGGGCGCAGAGCAGCGGCGGGAG
GAGGCGGACACGTGGCAACAGCGGTAGCAGCCGGGCGGCGGCGAGCAACAGCGGCGGGCG
>EP74490 (+) Hs PPP1R15A; range -499 to 100.

GCCTGACCAACATGGAGAACTACGTCTCTACTAAACAAATACAAAATTAGCCGGGCGTG
GCGGCACATGCCTGCAATCCAGATACTCGGGATGCTGAGGCGAGGAGAATCGCTTGAACC
CCGAAGGCGGAGGTTGCGGTGAGCCGAGATCGCCCTTTGCATTCCAGCCTGAGCAACAA
GAGCAAACTCCGCCTCAAAATACTAACTAAATAAATAAATAAATTGGGGTGGAAGGC
ATTGACCTGAGCTGAGAGAGAACTGGCTCGCTGTTGAAGCAGGGGCCAGCATTTGATTG
ACAGTTCTGTTTGTGGAGGGCGTGGTACGCTCGGAACTCCGCCGTGACGTTGCAAAA
GCTGGAATCTCCGCGAGAAGTCTGTCTTACTTCCACTTCCACCCCTTCGGGTTGCGGTC
TCGAAACCCCGCCTCTCTTGTGACGTGACGACGCCGGGCGCGGTAGGCTATAAAAGCCT
AGTGGCCATTGTGTTGTTGCTCTTATCGGTTCCCATCCAGTTGTTGATCTTATGCAAG
ACGCTGCACGACCCCGCGCCGCTTGTGCGCACGGCACTGAGGCGAGCCGGAGATACTCT
>EP74491 (+) Hs ATP50; range -499 to 100.

GGGTAGTCATGCCCCAGGTAAGAGAGACGTGGTGTCCGCTCCTGGAGCTGCAAGGCTCCT
GGGGGCTTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGATGCAACGTGAGAAAAAGCCATTGA
TGCAAGGCTTTAGCATGCTGGGAAGGAAGTGTAAAGAAGCCAGTGACGCTGGTAATAACTG
TGAAATGGAACAAATGCCACCATATTTATCTAAATGTAAATTTTAAAAGTGGGGACAGCA
AATCCATTCTACAGTGAGCGCCGCTTGGCCAGTAACAATGACTTCATTTTCAGATGCAGT
CGAAGCCCTGTGGCTCCACCCGAGGGTCCAGCCCTTACCACTGCTAAGAACTACAACCTC
CCAGCCCGAGGGAGGTTCTGCGCCTGCGGCTGACGCCCTACGCCTACACTTCCAGAG
AACCTAGCGTTACGCCAACGCGCGCTGCGCCCTTGCAGGTTTCTCTTCCCACTCGG
GTTTGACCTACAGCCCGCCGGGAGAAGATGGCTGCCCGAGCAGTGTCCGGGCTCTCCCGG
CAGGTGAGAGAAAGGTGGTCTGAGAGCCAGTGGGAGGATCCCTCCTGGGATGACCGGTA

>EP74492 (+) Hs ATP1B3; range -499 to 100.

TCCTGTAGGAAACGTACAGAGCCAGAGAACGCCTGGGGACGGTCGGGGAGGCAGTTTCGG
GGAGGGGACGATTAAGTTCCCTCAGAGAGGAAGCCGCGGGCCGACTGGAGTCGTTTTCTG
GCTCTCCGCACCCGCCCGCGGGTAGCATCTTCTCAGCGCCCGGCGCCAGGAACGC
CCAGGAAACCCAGTCTCTCTCTAAGCAACCTGCGGCGCGGGGACGCCGCTTTTGCTA
TTATTATAAACGTGCGTGCGACTAAACCTTCGATTTTTAGACTTTCTCTCGCTTCCTC
TGACCCAGGCTGAGGGAGCCCCGAGGCTACTGCGGGGCGGGGCGGGGCGGGGTGGGGC
GCCCTCGCCGCTCAGGCAGCGCCCGGCCGCTGGCGGGAGGCGGCAGCGGCGGGGCCG
AGCGGCGCGGGGATTGGCTGCGGCGGGCGGAGACGTACGGCTCCCGCGGCCCAAGCGGCC
GCCCGGCGCGGCGCGGCGCAGTCGGCTCGAGTACTCCCCGTAACGAGGAGGTGTTCTCGG
CCGTCCCACCCTTCACTGCCGTCTCCGGGCTGCGCCGCCGAGCCGGGACGCGCCTCCG

>EP74493 (+) Hs RPS3A; range -499 to 100.

TTAGGGGTGGTAGGGGCATGGGAGGATGGGGGTGTTAGCTAAAGGGTATGAGGTTTCTTT
TTGAGGTCATGAAATGTTCTAAAATTGACTGGTAATGTTTGTGTATATCTCTGAATATAT
TGAAAACCATTTGAAATGTAAAAATGCAAGAAAAAACAGCCCAAGTTGCAATTTTATTC
AACGCTTGATTGGCTTTAAAAATAGATTCCAGGCTGGGCATGGTGGCTCACACCTGAAAT
CCCAAGTCTTTGGGAGGCTGTGGTGGGAGGATTGCTTGAAGCCAGGAGTTCCAGGCCAGC
CTTGGCAACATGGCAAGACCCTGTCTGTACAAAAAAGAAAAAATAAATAACAGCTGGGT
GCAGTGGTCCACACTTGTAAATCCCAGCACTTTGGGAGGCAGAGGCGGGCAGATCACCTGA
CATCAGGAGTTCAAGAGCAGCTTGGCCAACATCCTGAAATCCCGTCTCTACCAAAAATAT
AAAATTTAGCCTTTTGGTACTCTGAGCAGCACCATGGCGTTGTTAAGAACAAGTGCCTT
ATGAAAGGTGGCAAAAAGGGAGTTAAGAAGAAAGTAGTTGGTCCATTCTAAGAAAGAT

>EP74494 (+) Hs MCM7; range -499 to 100.

GAAGGATCCTGCGACACAGGCTGGCCCTGGGCGCCCCCTCCCGCCCGGCCCTCCGCCCT
TCCAGCCCCAAGGGTCTAGGATACAGTCTTTGTAGATGAGCGGGTCCCCCTTGGAGGAC
AGAATGAAGAATTGGGAAATCATGGCCGTTCTGGAGAGTAGACAAGAAGACGGCGAAAGT
CGGGCCTGCCCGCCCTGCGGCCCCGGAACAAAAGAACGCGTGTGCGCTGGCCCTTTAAG
AGCGATTCTCTCCGCCCGCGCCAGCTCGGACCGCGGGAACCCGGCGCCTGCACTACCC
CGCCCGGAGATTCCCTTCCGACGCCCGCACCGCTCCCGTCACTATTCTAGGCCCGCA
CGGTGATTGGCTTGGCGCTAGCGGGAGGTGAAGAAGGCCGCTTGTCCGATTGGCCCGCA
CGCAGTGGCGCCGGTACGTGGGGGGCGACGTTTCGCGCCAATTTGCGTTGGCCGGCCAC
AGTCCACCGCGCGGAGATTCTCAGCTTCCCCAGGAGCAAGACCTCTGAGCCCGCCAAGCG
CGGCCGACGGCCCTCGGCAGCGATGGCACTGAAGGACTACGCGCTAGAGAAGGGTACGG
>EP74495 (+) Hs ARAF1; range -499 to 100.

CACACCAGAGACCCGCTGTCTCTCAAAGGCTATGAACTACAGTCTCCTAGAGCTGGTGAAC
ATCGCCGATCATTGGTTCTGATTCCAACCCATTTCAAAGATGGTAAAACTGAGACACGG
GAAAATCATAAAAGGGTGCTTAGGGCACTGGCCCAAAAAGGGTACTTAAGGATTTCTCCG
CCCAGATGCCAAAGCCCTAAGGTAGCCCCAAATGACCTGTGTTCTGCTTTATACGTCTA
TGCCACTGTTGGGGTTAAAGCCCTAGGCACGCAGGTCTTGCTCAACTGCGCCTGCGCGA
GTCAGGACGAGCGCTTGCCCCAGATCTTGACGTTTCAGGCGGCCCTCCTAATCCGGAAC
ACGACTCACATTCCGTTGGTCTTGCTTGACAGACGTGACCCTGACCCAATAAGGGTGGA
AGGCTGAGTCCCGCAGAGCCAATAACGAGAGTCCGAGAGCGACGGAGGCGGACTCTGTG
AGGAAACAAGAAGAGAGGCCCAAGATGGAGACGGCGGGCGCTGTAGCGGCGTGACAGGTG
AGGGCGGGCCCCGGGAGGGCTCGGTTTCTGGAGCGGTGCCGGGCACGGGCAGGGAGCCCC
>EP74496 (+) Hs GABARAP P1; range -499 to 100.

GTAGATCTCTCAAACATCTGTTTTCTTTTACTTCTTATTTCTGGAGATCATCTCCGC
CACTTGGGTACTACTTTGTTTTGGTGTCAACGGCCGCTTCAGCGTAGCAACACGGTTCG
TGAATAGCTAACCTTGTAATTGTCCCTGCTGTTCTCTACGTTGTTAACGAAAGGAACTT
GGAGAACCAAGTCTCGTATGATTACCATCTTTTACTCTCTTCAGCCCCAGCTTCCT
TGAGGGGACGGTTGGGGAATAGGTTTAGAGTAATTTTCGATGAGCAAAAGCCAACCGCT
TTGCTACGTCGCTGCGTAGCCACAAATTGATTCAAAGCGATTACGCTAATGGCGTGA
GGGGGCCGGTCAGTTGGTGGTGCTACGCTAGCAGCGTTAGCGCCGCTGAGGTAGTGGCGT
ATCTTAGCGGGGGGGCAGTCCCCGATAGTCGGGGGCGGGGTTGGTGAATAGGGAAGTGG
CGCAAATTCGTGGATCGCTCCGCTGAATCCGCCCCGCGCTCGCCGCCGTCGTCGCCGCC
CCCGTCCCGCCCCCTGGGTTCCCTCAGCCCAGCCCTGTCCAGCCCGGTTCCCGGGAGG
>EP74497 (+) Hs GABARAP P2+; range -499 to 100.

GCCACTTGGGTACTACTTTGTTTTGGTGTCAACGGCCGCTTCAGCGTAGCAACACGGTT
CGTGAATAGCTAACCTTGTAATTGTCCCTGCTGTTCTCTACGTTGTTAACGAAAGGAAC
TTGGAGAACCAAGTCTCGTATGATTACCATCTTTTACTCTCTTCAGCCCCAGCTTC
CTTGAGGGGACGGTTGGGGAATAGGTTTAGAGTAATTTTCGATGAGCAAAAGCCAACCGT
CTTTGCTACGTCGCTGCGTAGCCCCACAAATTGATTCAAAGCGATTACGCTAATGGCGT
GAGGGGGCCGGTCAGTTGGTGGTGCTACGCTAGCAGCGTTAGCGCCGCTGAGGTAGTGGC
GTATCTTAGCGGGGGGGCAGTCCCCGATAGTCGGGGGCGGGGTTGGTGAATAGGGAAGT
GGCGCAAATTCGTGGATCGCTCCGCTGAATCCGCCCCGCGCTCGCCGCCGTCGTCGCCGC
CCCCGTCCCGCCCCCTGGGTTCCCTCAGCCCAGCCCTGTCCAGCCCGGTTCCCGGGA

GGATGAAGTTCTGTGTACAAAGAAGAGCATCCGTTTCGAGAAGCGCCGCTCTGAGGGCGAGA
>EP74498 (+) Hs GYS1; range -499 to 100.

CGGGACTTTATGCCCGCCCTCCACCGAGGCTGCGCTGGAAGACGGGCGTCCGGAACCTC
CTGGGTCCATTCCCAATGTCTCTGGCTCCTCCTCTTTTGTCTCAGCCCCACCACGCCC
CGCTCAGGCCGATTGCAAAATCTTAGCTGTTCTTTGAGTAACCACACGTCTCCACGCT
CCTTTCTCTTTATCCACCTCCTCCTCCTCCCACTTTGAGGCTCCAGCTCCAGATT
GACAGAGCTGAAGGCCACTCGTTTCGTAAAGCGCAGCGGCAAGCTCCGCCCCCTGGAGG
TCTCAGGCCGAGGCGGGGCCGGACACAGCGACTCCAACCCGTTCCACCAATGAGGACA
CGCGGAAATCCCCGCCCCCGGGCGTGGGCCAATGGCGCTGGCTGGGGGGGGCGGCCACCG
CCTCTGGCGGCTGCGAGGTTTCACTGCAGGGGCGCCAGTGGGCTCAGTGACGCTGCGGC
CTCCTTCTGCCTAGGTCCCAACGCTTCGGGGCAGGGGTGCGGTCTTGCAATAGGAAGCCG
AGCGTCTTGCAAGCTTCCCGTCGGGCACCAGCTACTCGGCCCCGACCCTACCTGGTGCA
>EP74499 (+) Hs PTDSS1; range -499 to 100.

GTGCGCCGGAACCTGAACCTCGCCAGGAGCGGATCCTCGTGCTGGGGCAGCTCCTGCT
TTACCTGTGGCGAGGCTGCTTCCCGTAGCGGGTGACCCGGGACCGACCAACTCGTGG
GCCGCACGTCCCGTCCCGCCGCGCGCAGCCGGCTCCTCAGCCCGCCCTACACAGCGCA
GCCGCGCTCCCGGGCCACGTGGGCGCGCCGGAGTGGGCGAGACCATGTGCCGGGTTA
CGCGGGGAGACAGCGGGCTACGTGCTCTGAAAAGAGCCAGCCAGGGGCCCGGCTACCTT
TCTCCGGCTCGTATTCTCTGAAGTCTGTGGACTTGAGTCTGAAAATTCCTCGAGTG
GTAGAGATGCCTCAGCTAGGATGACAGCGTGGGGACGGCCGGCGGCTCCCTGCCCCAG
GCCGCGGTGGCGGCGCGCGACCCCGCCCTCTCGCGCTGTCTTCCCTCTGCTCCAGC
CTTTGCTGGGCGCCAGACCCGGCTTTGCCGTCCGGCTATTAGCCTACTGTGGCTAGTCAC
CCCCGGGTCCCGGCTTCTCGGGCTGGGGCCGCCGCCACCGCGGCAGGACGGGGAGGCG
>EP74500 (+) Hs MRPL27; range -499 to 100.

TTGAACATTTACTAACACTGTAGGTATGACCCAGAAGGAGACATGTAACCTGCCTAGGCC
TCAGTTTCTTCTTAGTAAAAACAGGGATGGTAACAGCACCCATTTTATAAGGTAGTGAGA
ATTAAATAAAATAATGCATCCACCGCGCTTAGTACAGCATCTGGCACACAGCTGGCTAAG
TAGAGTAAGTTGAATGACTAGGGAGGGGCTCATCTCTGACCTTCGCTGGGCCTCCGT
TGACATCTGCAAATCAGGGGAGTGGGACAAGCGGGCCCCTGCCGACAAGCTCTGCGCCT
CTCAGGCTGGCGGTCCGCTGCAGAGGCTCCTGGACACCTTAGCCACCAAGATTCTGCAGA
GCGGTGTTCAGGAGGGAAGCCCTGCCAATCCGCAGGCTGCGACCGGGGACGCTCACCT
GCAACTTCTCCCGCCACTCTTTCAACTGCCACGCAGGGCCCCGGAAGTAGATCTCCTGATA
GCGGAAGTAGAACTTTTCGAGACCGGAAGTGAGTGATCGAAAGCATGGCGTCGGTGGTG
TTGGCGCTGAGGACCCGGACCGCGTAATGGGACGCAAGTACAGAGCGGGGTGAGGCG
>EP74501 (+) Hs PLP2; range -499 to 100.

GTGCAATGGCATGATCTTGGCTCACGCAACCTCTGCCTCCCGGGTTCAAGCGATTCTCC
TGCCTCAGCCTTCCGAGTAGCTGGGATTACAGGCATGCGTCACCGTGCCAGCTAATTTT
TGTATTTTGTAGAGACGGTGTCTCCATGTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCCGAC
CTCAGGTGATCCACCGCCTCGGCTCCAGTGTTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCG
CCTGGCCCTTTTTTTTTTTTGTAAACGCGGAGCTCAAACCCCGCTGAGAGTATATGCAT
GGGAAAACCTTCTGAAATCAAAAATATTCCGAATTCTGGCAACATACTGGGCCCCAAGTC
TTTCGATTTAACTCTGCCTCGGCCGTTTTATTAGTTAAGGAAACTGAGTCACTCCATC
CCAAAGCCAGATTCCCGCGGTTCTAAGCTGAAGCTGTCTCGGGTGCAATTTGCATTCCAAA
AAGGCGAAGGGTCCCGCTATTACTGCTCCTGGTACCTGGAGCTGCCAAGCACCCCTGCGA
TGGGGCGCCCCGGGGGCTGTGCGCCAGGCTGGGAGTATCCTTGGGGGGCGGGGCGAGGGG
>EP74502 (+) Hs SNRPG; range -499 to 100.

AGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGCGGATAACGAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGC
TAACACGGCGAAACCCGCTCTACTAAAAATACACAAAATTAGCCGGGCATGGTGGCG
GGCGCCTGTAGTCCCAGCTATTCCGGTGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTGAGGCCGGGAG
GCGGAGCTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGTAG
ACTCCGTCTCAAAAAGAAAAGAAAAGAGCAGGGATACCCACCGGTGGAATACCCGTTAT
CTCAATTTTGTACAAGGAAAACGGAATTGAGAAAGGTGCCTAGAGGACGCACCCCTCCGT
CCTGGCCAATCGCTGAGGACATAACCGGAAGCTCAACGATGACCGAGGCGCTGAGATATC
GCGAGGTGAAATGTAAAACCTGCCAACAATCCATTGGCTAACGAGGTCGATGACGCCAGA
CGCAAGACGCCGGGCTACAGCGGGAGCGTGAGGAAAGCCGTGCGTTGCGTTCCAAGGCA
TCTGTGAGCCCCGGAGTATACACCATGAGCAAAGCTCACCTCCCGAGTTGAAAAAGTA
>EP74503 (+) Hs HLA-DMA; range -499 to 100.

TATTTCTAGCCCTGGGCCCCAACCCAGAAATTTCTTGTATTTTCAATATATGTCTGCCAA
ATGAATTAGAGCTAATGCCTGAAGGAGAATAAGTTTTTTTGGAGAAAGAGGAAGAGCCAGG
AGGGAGGAGAAGGCAGGGTCCGAAGAGCCCTGGGGGTTTACTTGGGGAAGATGCGGTTCC
CCATTGCAGCATTCTGCCAGGAGGTGGCACTGCTCTGAAGAGCCAGCTGGTCGCTTACAG
ACTGAGGCTGACAGCTTGAACCAAAGAGGGAACCTCACCGGAAGCAACATTCTCCAC
TGGGCTTCCCAGCCAGTTACATGCCATACTCTGCCCTGGTCAAACAGCCAAGTCTTCAG
GAGGTTACTGGCCCCAGGCGTCTCCCAGTGACTGATGATGTTAAACCCTACGCTTCTCT
GATTGGTTTAGACAAAATGACAAGGGCACCTATTGGAATGATCTGGCAAAACATGATCT

AAGGCCACCCTCTCGGGGAGGGAGTTGGGGAGAGCTGGGTTGGCTGGGTTGGTAGCTCCTA
CCTACTGTGTGGCAAGAAGGTATGGGTCATGAACAGAACCAAGGAGCTGCGCTGCTACAG
>EP74504 (+) Hs ARF5; range -499 to 100.

CCCTCGGTGGAAGATGAGGCAGTAAAGGGAGGACCAAGACCCCTAATCGCAGCTTCCACT
CCCCAAAGGAGAGTGGTGACACAGTTCACTGCTACTGGTTCCCAAGGGCTAAAACCGGAG
CCCCTAGGGGCTGGACGCAACAAAGCCAGCGGCCGGCCACTGAAAATGGGGGC
AGGGGCCGCTGCGGAGCGATGAATCCTTCTCAGCCGCGCTCGGGCTGCCGTTTCGGCG
GCCACAGGCCTGGCAGGCGCTTAGAGACCTAGACCCGTTCCCAAGTAAGGGCCGCACGG
GACCCAGGCCAGCAGCGGCAACTCGCGGAGCTTCAGCTCCCCTAGGAGCCAGAGCCGGGG
GAGGCGGGGCCGAGAGCCGGGGGCGGGGCCGACGGGGCGGGGCCCGCGGTGACGTCGG
GAGGGCAGCGACGCGCGGAGGCGGCGGGGAGCCTCCTCCTGCTGCTGCTGCCCCCATC
CCCCCGCGGGCCGGCCAGTTCCAGCCCGCACCCCGCTCGGTGCCCGCGCCCTCCCCGGG
CCCCGCCATGGGCTCACCGTGTCCGCGCTCTTTTCGCGGATCTTCGGGAAGAAGCAGAT
>EP74505 (+) Hs HMGN3; range -499 to 100.

TCCAGTACAGAGTACCTTCCACGCTTTACAGATTCCACCATGTAACATTCAATAAAAAG
CCTTTATGGGTAGGAAATGAATAAGGTACCTGCTGTGTATATATTTACATTATAAAGTTT
ACGTATTCTTACTCTTTTCTTCTTCTATGAAGACACACACTGTTCTTATTCTTACA
ATCTCAAAGAGAGAGCAGCGAAACAAATGAACTTCAGGATTGTGTGGCCTGGAGGCTACT
AGTTGAACTGGGCATGCTCAGTCGCCAGGCAGATTTTTTTTCGGTGAAGTGAAACTACAA
CAGCGCGTACC GCGCGGAGGTGGGCGTGCCCTCGTGAATTTAGAACGTTGCCTCAGC
CAATGGGGCCTCGCGGCCGGCTGGCGGGGCTCCTCATTGGAGCAGCAGGGAGGCGAGCAG
AGGGCCCCCAGAGGGAGCCGCGGAGGTGCAGGTGAAGAGGCCGGGCTACGTCGTGCCCT
GCGCGTGAGCAGCTGCAGAGGCAGAGGCAGCATCCAGCGGCGGCCAGCAGTTCCAGTC
CGTTGCTTTACTTTTTGCTTACCGACATAGTCATTATGCCGAAGAGAAAGGTAAGTCTT
>EP74506 (+) Hs PSMD10; range -499 to 100.

GAGCTCAGTAGGTAGTACTCAGCTCCAACCTTGTCCCTTCCGCTGCCACTGCAGGTCA
GGAACCCCGGGGACAGGACCTTTAGGCTCTCATAACTCTTGCCCTGCCCCGAACCTGT
TTCATATGGCCGACTCAACGACCCGCCAGCGACTACCCACCCCGGCTCTTTCACACGGTT
CCACTCAAAGCCGCTCCCCGTACCTGACTCCATTCTCCAGCTGTATCCTGGGCCAATTC
CACCGGCAACTTGACTACGGACGGACGGTCGCTAGGATCCCTGGGACTTGTAGTTCTGCA
CTGCTAGGGGCCAAGTCTGTGAGGGCAGCAAAGGCGCTCCCTGCCCGGAACTGCTCTCA
AACTGCAACTCCCAGAGGCGCCGCGCAGGGGAAAAGAAAAGGGAACGAGGAAGGCCGGT
GATTGGTGAAGCTCTAACGGCTAGTTTGTGACTGGCGTAGCCGAGCCGCGACGTGAGGCG
GGCGTTGCTCGCGCGACAAGTGTGTTGCTGGGACAGCGAAATGGAGGGGTGTGTGTCTAAC
CTAATGGTCTGCAACCTGGCCTACAGCGGGGAACTGGAAGAGTTGAAGGAGAGTATTCTG
>EP74507 (+) Hs PLK; range -499 to 100.

GTAGGAATCACCTGAGCAGTCTTGTGAGAGGCGGACACTGACTCGGGAGGTCTGGGGTA
GGGCCTGAACGTTTGCCTTTGCGGTTCTAACAAAGCTCTCAGGTGATGGCGATGCTACTGT
TCCCTGGCCCCGAGGTAGAGGAAGATTTAAGTAAAAGCTTCTGGAGGAGGCGCAAGTGA
ACCGCAGGAGCTTTCCCGACGCCCGAGAAAGGGAGAAACCCGAAGGAATTCTCCTCT
CTCGGGGCTGGGTCTCCGCATCCACGCCGGTGTGTTTCCAGGCTATCCACGTGTTT
GGGCGTCCGTGTCAATCAGGTTTTCCCGGCTGGGTCCGGGTTTAAAGGCTGCTGCTGCG
CAGGGCGCTCCCATGGTGCCGCGCGGGCGGGGTTTGATTTTAAATCCCCGCGGCCAA
TCAGTGGCGCGCAGGCTTTTGAACGTTCCAGCGCCGCGTTTGAATTCGGGGAGGAGCG
GAGCGGTGCGGAGGCTCTGCTCGGATCGAGGTCTGCAGCGCAGCTTCGGGAGCATGAGTG
CTGCAGTGACTGCAGGGAAGTGGCACGGGCACCGGCCGACCCTGGGAAAGCCGGGGTCC
>EP74508 (+) Hs GCSH; range -499 to 100.

TCTGTACTTTACGACTTTCCGACTTGTCTTGAATTCTTCGTGAGGTGGTGAAACCAC
CTTTGAAAATTATGACAGAGGCAAGTAAAAGAGATACACATGTGAAAGGAACCCAGTCT
GGGGCTTAGGCCCGCCCCCTCTCGGGGAGCCCAATCATACCCAGGCCCGCGCGCTA
GTCTCCGCTCTCGGTGCTGCTCTTCCGGGCTCAGGTTCTTCCCCATGCCACGCCCC
TCTTTCGCGTCGCCGATCCGAGGTGCGGCCAGGCCCTGGAGTCCCCAGTCTCCGCGTGC
TGGCCAATCAGACCCTGCCTCGCCCCCTCGCTGGGAGTCTCCGCCCTCCACGCTCTGCC
CAGTCAGGCTCTGTCCCGCCCCCGGGCACCGCTCCGCGCTCCATCCAGCCGGCTCCC
TCCGGCCGCAACTGCCCTCCCCGCCCGCTCCCGGCGGGGTGGCCGAGGCGTAGCG
CTGCGACCCCCGACCCCTGCGAACATGGCGCTGCGAGTGGTGCGGAGCGTGCGGGCCCT
GCTCTGCACCTGCGCGCGGTCCCGTACCCGCCGCGCCCTGCCGCGGAGGCCCTGGCA
>EP74509 (+) Hs FIBP; range -499 to 100.

TGGGATTAACCAAGGTGGGAGCAGGTGCCCCAACCCAGGAGAGGTGCTCATGCGCAG
GATGGACAAACAGTCTCCAGCAAGAGCCCGAGGAAGTCGGGTATACCCCATTTTTGCG
GAGATTTAGGATAGAGCCCTGTGAAACCCCTAAGTTTAGGATACAGGTCAAACCTAGGAG
GTCCCGAAGAGGGCAGAGAAGGTGGGAGAAAAGCCAGGAGGAAGTGAGGGGAGAAGTTAC
GGGGACCGAGGAGACGAAGAGGAGGCACTCCCTTCGTGCTCCTGCAGACGGCCGGGGAGG
GAGACAGGACGAGGAGCCCGGACTCCCCCTCCCGGCGGGAGGAAGCGGTGCTCCTCCG
CGCAGGCCTCCCCCTCTTCCCTCGCCGCTCCCGCCCCGTCCCCTCCCCGACTGGCTGT

GTCCCGGAAGTGGTCATAAGCTGGGTCCCAGTGC CGCGAGCGGAATCTCGGCGCTCCCGG
AAGTGGCCTGAAGGCGGGCGGCCAGTCCCAGCAGTGCTCGCTCCTGCTCGGGGCGCTGC
GGCCCCGGGCGTCGCCATGACCACTGAGCTGGACATCTTCGTGGGGAACACGACCCTTAT
>EP74510 (+) Hs KNG; range -499 to 100.

TGTCCAGAGAGCAGATAGGACGCCCATATTTTATTTTTCAGTTGTGCCAATGTCCTGCATG
GGACTCCTGGAACTCACTGGATGCCCTGTGCATGAGCTTCTTAGGCATGTAATAGAATT
AACAGCAGTCTGCTTCTATGCAGGTAGGTATCCTGCAAAGAACTTTGTATGAAATGTGT
CTGCACATTGTACTCATTCTTGCATTGTTTACCCATGTAGTGACCTTCAAAAATGGCTTT
GCAAAAGTCACAGGGGAATAACCGAGTTAGTAGGCACCTGTTTCCCCTCCTTCATCAGAT
TCTGCTCTGATTTGCTACATAAAGTTGTATAATCACCTGGAAATATGCACTGTGCTGCCA
CGTGATTTTCAAATGCAAATGAGCAGGTTAACAACCCCACTGTTGCAATGTTCTAGCTGT
AAATATGTTTGGATAACCCAGCAGAGCCATTTAACCTTTGGGAACAAGGCAACTAGCGTC
TGGCAGCAGGAATCCAACCACTGCCCTGAGTTCTGAGGCAGAGAGGAGACAGAAGAAAC
AAGAGGCTGGAGATTGTCAAATTCAGTATCCCAGTTGGCTCTTGATTCTTGGTGAAACCA
>EP74511 (+) Hs HARS; range -499 to 100.

ATTGTAACACTACTGGAATACAGGCGCGAGGCTATGCGTTTCAGATCTGGAGACCCTGCT
GGGACAGACCAGAGATAATTCTGTCTCGCTCACCTGGCTTTGGCAACGAGCGCCCCGGT
GCACGAAGCGCAGGGCGGTTCGAGGAGCTGGCTGAGCAGCGAAGCCAGGCCCTCCTGGG
AAGAAGTCCGAGCAGGGGCATCGCGCGGACGAGCGCGCTTTCCGGGACAGGAACAAAA
GGCCTGGGAAGGAGGCGGGTCAGACACCAGGAAGGTTGGAGGGCACTGCAAGGCGGAAC
CCGCGCACCAAGGAAAACCTCGGGCGTTTGCACCTCACTAGTCACGAAGGCTGAGGTGG
GATCCTCCCAAGTTCCCTTAGTAGCCAGCTTCGGCACTTCGGGAGGAGCCGGAATAAT
TTTTGTGCTCGGCGGAGGCTCTTAGGCGTGCACCCAGCGACTCGATAGCCGGAAGTCA
TCCTTGCTGAGGCTGGGGCAACCACCGCAGGTGAGACAGCAGGCGGCTCAAGTGGACAG
CCGGGATGGCAGAGCGTGC GCGCTGGAGGAGCTGGTGAACCTTCAGGGAGAGCGCGTGC
>EP74512 (+) Hs ERCC3; range -499 to 100.

CGGCGGGCCTGTGGGAGCGGGGTCACTTCTCTCTGCTGTGTAGCTGCCATGGGCAAAA
GAGACCGAGCGGACCGCGGTGAGACGTTGCGCGGACAGCTCAGCCACGACTGCCCTTGC
CGGCCCTGCCCCCGCTCTGCCTCGGAGCTGCTCCGGGCTCTGCGCCGGCCGACCCTGC
TGGCCCTCCCGCGCGCACCCCGTTGGGACAGGCCTTTGGGCGGGAGAGATGCTGGACCTG
GGCGCAGCCAGCGAACTCGGCCTAGGGGAGACGGGTGAGGGGCGCAACGCCTGCGGGAT
GCAGGTGGCTCTTAGCTAGGAGTTTGC GCGCGCAGGTGAAATGCTGCCAAGCGGTGCG
GAGGGAACCTGAAGGCTCCTGCTGGGCTTACTTCTGTGTTGGTATCTTGACAGACAAGAA
GAAATCCAGGAAGCGGCACTTGAAGATGAAGAGGATGATGAAGAGGACGCCCCGGGGAA
CGACCCTCAGGAAGCGGTTCCCTCGGCGGCGGGGAAGCAGGTGGATGAGTCAGGCACCAA
AGTGGATGAATATGGAGCCAAGGACTACAGGCTGCAAATGCCGCTGAAGGACGACCACAC
>EP74513 (+) Hs PPIG; range -499 to 100.

AAATAATATATGCCATATTTTCTCTAGAAGGCACTAGATTTGGCATCAAAAGACTTGCTT
TGGCATTCAAGAACAGTGTGTTTGGAGAGGAGGCGTTTATCTTCCCTGAGCCTCAATTTT
TTTATCTGTAAAACAACAAAGAACATCAAAGCTCTTTGTAATTTCTTCTCTTTCTCAA
ATAACACTTTGCTCATTACTGCGTTTTTGAACCTTATATCCTAGCGTTAAGTGAAGCTT
AACTGGAAGCTCCATGAAGGTAGGCCTTCTTTCTGATAACCTAGCGTAAGATCAATAAA
TGTTTATTAAATGAGGCATTTACTTCACAAAGGATATGGCATTTTAACGGTTACAAGCG
TTCCCAGTCAACGCATCCACAAAGCATTAGGCCACCTATAAACTAGGAATTTAAAGGCA
CCAAAATCCTAGAAGTCTTAGGAGGGCGTGGTGACGCAAGCAGGTGAACGCTGGCCGATG
CTGACAACCCACTCCTGACGCGCTTCCGGTGCGACGCTGTCTCTCCATGCCAGGACTGAG
TTGTGGGGGAGGGAGGCGGTTAGCGGGCTTTAGCGCCTTTCTGGCGGCGGTAGATTGA
>EP74514 (+) Hs TINF2; range -499 to 100.

AGCGCTGGGATTAGACACAAGCCACACGCCAGCCTGTATTTTATTTTAAAGGGCGGG
CGCCCTCTTCTGTTTTATAAAAGGAACAGTCGAATTCTACTGGAAGCGACGCGCGCAGA
GGGGAAGGCTTTGTAGACGCCGCTCGGGTCTGGAATTTAAAGAACTAAATTTGATGGG
TGAAGACAGTGGGAAAGGGCGGTGGCATGATCCTCGTTTTACAGACTAGGAAGTCGAGCC
TCACGGGAGTGACGGGGCTTCTCCGCAAGGCTCCGCGAAGAAAGCAAGGCTGGGAGGACCC
AGACGAACGGCCACAACAGCCTCAGCGGCCACGACAGCCTCAGCGCCAACTCATGTCAG
CCGGCAGAGAGTGACGGAAGCGGGCAGCTACAGCTCCGTGGGGCGTGGCCTTCTGACGC
ACCGTCACGGTTCCCTCTGTGGCGGCCATTGGCTCCCTCTTACCGCCCTTTTCCGGGGC
AAGGGAAGCTAGTAGCGGAGCCGGAAGTGAGGCACCCTCGGGCTCGAGACAGCGGCGACG
TTTAAAGCTGAGCGACCCAGTGCCACTGGAGACGGTCAGCTTCTCCACTCAGGCTCCTCC
>EP74515 (+) Hs KDELR1 P1; range -499 to 100.

CTGGGGGTCTGGACTCCTGGGTCTGAGGGAGGAGGGGCTGGGGACCCAGACTTCTGGGTT
TGACGAACGGGCTGGGGCCTTGAGTCTGGGTCTAGGGGAGGAAGTAGGTGGGGTATCTT
TCTTGTCTTCTGGGGGATTGGAGTTAGAGTGCCTGAAAGCTGCAAAAGCTAGCAGCTGAG
CCTCCGGGTCCTGCAGGATTTTCAAGCTCAGAGGGCAGTCTCTACATCCCTGCAAGGG
CTGAGGCTGGTGTACTGGACTGCGTCTTCCAGAGACACAGACTGCCTGGGCGAACC GG
TGCTGGATTTGGCACTTTCGAACCTGCGACCCTCCCAAGTTCTATGGGGCAGCTTTG

GGGGTGCCTTTAGCGCCGCCACGGCAAAGCAGGAGGTGGGCGATAGGGGGCGCCGGGGAT
CCAGGCCCGCCCTCGGGGGCGGAGCCTCTCTCCCGGACTCTCCCCCTCTCGCTCTCC
TCCCTCTTCCCGGCTCCAGCTCCGCCGCCAGCTCCAGCCTTTGCTCCCCCTCCAAAGTC
CCCTCCCCGGAGCGGAGCGCACCTAGGGTCCCTCTTCCGTCCCCCAGCCAGCTACCCG
>EP74516 (+) Hs KDELR1 P2+; range -499 to 100.

CTTCTGGGTTTGACGAACGGGCTGGGGCCTTGAGTCTGGGTCTAGGGGAGGAAGTAGGT
GGGGTATCTTTCTTGTCTTCTGGGGGATTGGAGTTAGAGTGCCTGAAAGCTGCAAAAGCT
AGCAGCTGAGCCTCCGGGTCCCTGCAGGATTTTTCAAGCTCAGAGGGCAGTCTCTACATC
CCTGCAAGGGCTGAGGCTGGTGTACTGGACTGCGTCTCTCCAGAGACACAGACTGCCTG
GGCGAACCAGGTGCTGGATTTGGCACTTTCCGAACCCTGCGACCCTCCCAAGTTCTATGG
GGCAGCTTTGGGGGTGCGTTTAGCGCCGCCACGGCAAAGCAGGAGGTGGGCGATAGGGGG
CGCCGGGGATCCAGGCCCGCCCTCGGGGGCGGAGCCTCTCTCCCGGACTCTCCCCCT
CTCGCTCTCTCCCTCTTCCCGGCTCCAGCTCCGCCGCCAGCTCCAGCCTTTGCTCCCCC
TCCCAAAGTCCCTCCCCGGAGCGGAGCGCACCTAGGGTCCCTCTTCCGTCCCCCAGCC
CAGCTACCCGTTTCAAGCAGCAGCCTCGGGGGGACCCCCCGCCAGCCTGCCTCCCTCC
>EP74517 (+) Hs DHX38; range -499 to 100.

CGGACAGCTCCTTTTCATCAGCCCCAAGCCGACAGGACCCTAAGACCAAGTCACCCAGGG
GCTGTTGCCTAGCAACCCTCGTGGCCCCGTAGCGGGAAGGAAACCGAACAGAAAACGCA
CAAGCGCAGAAAAGAACTCTTGCCGTGCGTCCGCCCGCTCAACAGCCCAATAAACG
GAAGAGCTTCTAGTCACCGCCACCTTGCTCGGCTCTGACCGGAAGCTAGGCGTCACCTC
CGCCCGTATTAAAGATGGTCGACCTTTTTCCCTCTTTTCTGCCCCAGACTAGAGGC
GGGATGTAGTCTCTTAGGCTAAGAGTGATTGGTCACAAGGAGACTCGGAAGTGTCTGATC
AGAGCCCCAGAGGAGGCCCTTGAGAGCCTGTTGGCGTACCGTTCCACACTTGGATCCAGGA
ATCGGGCGTGTTCAGGCTGCTCTCTATGGTAGCTTTGGGCGGATAGAGGGGGCGCGCAA
AGTATTAAGGGACAATAATGGCCGCTTTCAAGGTGTGGATTTTGGCTCCTTGAGCCTGTC
TGAGCGAGGGGTGGCAGCGCCGGCGCCCCAGAATCCGGGACAGAAGGGTCCCAAGAGTCG
>EP74518 (+) Hs ATP6V1F; range -499 to 100.

CATATACTTTTACATTCTAACCATTAACACACAGCTTTGTAGTCGCCTGTTCCCTTGAC
TTTCCACCTCACTAGGCAGTATCATCATTAACCTTTTGCACTTCTTTAACTGAACAAACGT
GTGTTACTTGTAACTATGTGTCATAGTTACACACATACATACAGATAAAGACCCAGAC
CCTGCCCTTGAGATGAGTAACTGCGTCTCTTCTGCGGTCTAACAGCGTCA
GGTCCAAAGCGCTTGTGAACGAATGAACCAAGGAACGAGTGAATGAACGAATGAATGCC
CGCGAAGGACGTGGTGCCCGCGGCTCTTCTGCGAATCGTAGTCCCCTGGTTCGGGCGCTGT
CTTTACGGCGCAGGCGTATTACATGAGAGCGCGTGTGCTGTTAATGCGCATGTCCCGGA
ATGCGGCTGGGAGGACTGCGCATGCTCGAAGGGTGGGGGTGAGGCCGACGGGGCGCGGT
ACGGCGGAGGCGGGGTTTCACTGGCTTCTGGTGCTCTAGGGTGAGCTCTGCCCGGTGCA
GGGATGGCGGGGAGGGGTAAGCTCATCGCAGTGATCGGAGACGAGGACACGGTGACTGGT
>EP74519 (+) Hs EIF3S5; range -499 to 100.

GCAGCAGGAGAAATCCAGCTAAGTTCTCTTCTCGCCATTGCAGCCTCGAGCTTCTGGG
CTCAAACGATCCTTCCGCCTCGGTCTCCCGAAGTGCTGAGATTACAGGCGTGAGCCACCG
CGCCTGGCCTTAAATCCTTTTAAAGGCACTTTGACATCCATTATCTCATTTAAGTCTA
AAACACGAATTTGACCTCCGCGCTGCTTTCTGGTTCCACCTGGCGGCAGCTGCACAAAG
TGTTTTCTCTTGAACGCCGTCCCAAGTTTTACCCGGAACACTTAGCCAGGGTTTCCTG
AGTGCTCCTCGGGCCAAAAGCAGAGCGCACAAATTCCAGAAGAAATTACCAACGGCGGGA
CTATTTCACTGCTCCGAGAAGTATCACCAGTAACCAATCAGCAAAAAGCTCTAGCTCACG
TGGTGATATTACAGCTATCAAGCTCCTGATATTATGAATGCTGTCAATTTCCGCTTCCG
CCTCCTTCTTTCTGACAAGATGGCCACACCGGCGGTACCAGTAAGTGCTCCTCCGGCCA
CGCCAACCCAGTCCCGGCGCGGCCAGCCTCAGTTCAGCGCCAACGCCAGCACCCGG
>EP74520 (+) Hs TCFL4; range -499 to 100.

CACATGCATCCTGCCAGACACTGGGCTGGGTGTTGGAAGATCAGCCTTCCGCGCGCCAGG
CGGGGCTCTGCCCTCACAGAGCTTGACAGCCTGGTGGGGTCCGACGATGTGGCTGGGGGC
TTCTCTGCCCGTTCTGACACACCGGCCAGCAGTGACAGGTCCGGTGAGCGCGGGGAGGC
CGCCCTCAGGGTAACGTGGGGAGCCGGCCGGCGGACAGTGCGGTGCACACACTATCTG
CGGCGGTGTGCTGACAAGCAATTGAGGGGACTCCATCTTACAAAACGCGCTTCATGTCG
CCGCCATTCCACTGCCTAACCCGGGGAGGGCAGGCACGGCGGGGAGCAGTCTCGAAGGAG
GCTGGCGCCAGGCCAAGCGCCGGGCTTGACGGCTGGAACCGTGGAGTAAAGTCTTTGGG
CTGCGCATGCGCGATGCTTCCGCTGCCCCACCTCTCGGTGCGGATTGGCGGGCGCGGG
TCACGTGGGCAGCCACCCGCTTCTCGCCGACAGGGGGCCCGCCGCTGGCCCGTTTCCG
GTCCGGTGGGTACAAGATGACGGAGCCGGGCGCTCTCCCGAGGACCCTTGGGTCAAGGC
>EP74521 (+) Hs JUN; range -499 to 100.

ACAACTGGCCAGGTTCCCTGGCTCCCGGGTCCCTGCATCCCCCGCATCCCCGTCCGAG
CCGTGAACCTGAGCCCCCTCCATCAGAGGTTGCGAGCGTCCGCCCGCTCGCGGCAGCCA
CCGTCACTAGACAGTCAAACCCCAAGACGTAGCCCAACATGCACCGGGCGGGCCGGGAA
AAACGGCCCCGGGAGGGGACCGGGGAAGAGAGGGCCGAGAGGCGTGCGGCAGGGGGGAGG
GTAGGAGAAAGAGGGCCCGACTGTAGGAGGGCAGCGGAGCATTACCTCATCCCGTGAGC

CTCCGCGGGCCAGAGAAGAATCTTCTAGGGTGGAGTCTCCATGGTGACGGGCGGGCCCCG
CCCCCTGAGAGCGACGCGAGCAATGGGAAGGCCTTGGGGTGACATCATGGGCTATTTT
TAGGGGTTGACTGGTAGCAGATAAGTGTGAGCTCGGGCTGGATAAGGGCTCAGAGTTGC
ACTGAGTGTGGCTGAAGCAGCGAGGCGGGAGTGGAGGTGCGCGAGTCAGGCAGACAGAC
AGACACAGCCAGCCAGCCAGGTGCGCAGTATAGTCCGAACCTGCAAATCTTATTTCTTTT
>EP74522 (+) Hs IMMT; range -499 to 100.

CACGTTTAGCACAAGGGTCCCCACAGTGTTAGTTCACCGTCTCCAGCAATCACTATGACT
CCCTGGAGGGCTGTCAAACGAAACAAAGGCGCAAACCTGAGACAATTCCATTGTTTACGTA
ACTTTGCGCCAAATCGGCTCCTTCTACGAAATATCCAGCTCATAGAGCAGGCTGAGATGC
TTTGTTGCTTTAATTCTCTTTAAGAGTCACAGCTGTCCATTTTCCACGTGCGGCTGAAGA
ATGGATTTCAGAGCGCTCTCCCTCCGGCAGTGTTACCTAGTAACCCCTTCCGGATAAGG
ACCTGCAGCCCGGGCGCGACCCGAAAGGGAATCCGCCCTTTTCGCTCCTTCGCGCCAA
TCGCTGGAGTTGGCGTTTCCGCGAGCCGGGACACAGCCACCCCTCTAAGAGCCGCGGAGT
CGGGGACGGTAGAAGGGGCGCGCGTGCAGTGCGGTCCGCTGTGCTTCCGGTGCGCCG
GGCGCGGACGCGGGCACGCACACAGCAAGCACGCTCCACTTAACTCGCGCCGCCGCGG
CAGCTCGAGTCCACCAGCAGCGCGTCCGCTTGACCGAGATGCTGCGGGCCTGTCAAGTA
>EP74523 (+) Hs DDX1; range -499 to 100.

TAAAAGCGACATCAACATGGGTGAAGGGAGGGAGACCTAAATCATTACTTAGTTTTAAAA
AAAAAATGTAACAAATACCTACTGGCTGCCAGGCACTCACTGGCATTGGTGCTCAGGGCA
ATGAATCCAGTCCATCTCTCCGGGTCAATCACACACCAAGGCCCTGCTCACCTTTGGAAA
GCTGGGGGACTGAGTGGGGAGGGCACGGTGTGGTGTGAGCCTGAGCCCACTGGATGACCC
TAATACCAAACATCTGCTTCTTCTGTAGCTGTGACCTGATACCGCGTGGTGTGCT
CCGAACACATGGTGCCAGAACGAAGGCGCGTCCAGAAGCCCTAGGTCCAGAGGTCCG
CTCAGCGGCAGGCGCATAGGCGGGGCGCGCGGGCCTTCTTCCATCGGAACCGTTC
TCCCGGGGCTGAGTCCCTGCCCGGACTCCGAACGCCGAAGACCAGGGGCGGAAGCGCGC
GCCGCCACTGCCACGCCGTGTGAGTCGGGAGGGAGGGAGCGAGCAGGCGAAGCCGCGGAG
GACGGGGTGAAGATGGCGGCCTTCTCCGGTGCCTTTGTGGAACTCTGGGGGTGGTGGGG
>EP74524 (+) Hs PSMB5; range -499 to 100.

ACCCAATTTTAGAAGGTGCCCTTAAACAAGATGGCAACCTCAGGCGCGTTAAACAAGGTGC
TGAAGCAGCAGCGATGTAACCTGTTGCTTGGACACCAGGCTGGAGTGGGAGGACTCACCG
CTAAGGGTTCAGAACCGATTTTCAACCAAGTCACGCCCTTCTCAAAGATGGCCGACCTCAC
TTCCCTTACGCAACATGGACGTTTTCAAGTCACTTCTGTGATTTTGAAGTTATTCTGATC
CAGGACTACTTGATGACCAAGCCAAAGATGGCAGGTACGTCCTTTTGAATTTAAGGTT
AGTGAAGCCATCTATTTCCCGGACCCCTTCAAGTGAATAAGGCTTTTCGCATCTGGCCCT
TCTTTTGGAGGCGTGCTTGGCAGCAGTCAAAATGGCTCCATTCCGGAATAGATTTAATA
GGAAGTGAAGCTGTGACGGCGAGGCGTTGCCCGGCCTATCTTTGCTAGGCGTTCTCAGAA
TTAGTTCTTTTGGCCACACTAGACATGGCGCTTGGCAGCGTGTGGAGAGACCGCTACC
GGTGAACCAGCGCGGGTTTTTGGACTTGGGGGTGCTGCAGATCTGCTGGATCTAGGTCC
>EP74525 (+) Hs C1QB; range -499 to 100.

GCAGGTAAAAGGAGGGCAGGAGAAGGGGAGAGTCTGTTTCTGAGGCCTAACACACCCAA
CATTATCACAGAACATTGTAACAAGGGCTATAGGAGTTACGACCCAGGAACTGTGGATGA
AAACCAATACATATATATATACATAACACCACAGCCTCCTAGAGGAAAGTGACCGTGAAG
GGTCTGGTGAGAGCTGGCGGGAGACAAGAGTGCATTCCACGCAGCCAAAAGCCTTGCGT
GCTTTGAGAACAGCAGGTGGAAGTGGGTAAAGCGCCACTAGAGGGAATTAAACAGCTTC
GGACAGCGGACTCGGCAGCGCAGCAAGAAAGCTCCGGAATCCGGATTGAGGCTTCCCGG
GCTGCACCGGAGTCTCCAGCAGAGGGCGCGATTCCGCCCGCTGGCCTTAGGTGCTCAGAG
CGCCGGCGCGGGAAGCGCTTCCGGGCAGGGGCGGGGCTTCCGGCGGCCTCAGGTGCGG
GGGCGCCTAGGCCTGGGTTGTCTTTGCATCTGCACGTGTTGCGAGTCGTTTCCGCGATG
CTGCCTCTGCTGCGCTGCGTGCCCGGTGTGCTGGGCTCCTCCGTCGCCGCGCTCCGCGCT
>EP74526 (+) Hs PCNA; range -499 to 100.

GATAGGGAGCTAAGTTTAAACAGAACAATTACCTCTTTATCTTGTGACACCTACGAGCGC
ATCAATTCTGTAATTGAAAAATAAAGTGCATATTTGCAGCAGCTGTACTCTCTTCAGGCT
GCAAGGAGGCTTTTCTCCCGGTAGGCTTGATTTGCATTTCACTTTCACTTTCTGGGCTG
GAACTTTCTACCCACGTAGTGGGAGGCTGAGGAGCCACCATAAAGCTGGGGCTTGACGA
GCCGGGACCGGGACCGATCTCCACATATGCCCGGACTTGTCTGCGGCCGGGTTACAGGA
GTCAAAGAGGCGGGGAGACCTGCGCGACGCTGCCCCGCCCTGCGCCCGCTTCTCCAATG
TATGCTCTAGGGGGCGGGCTCGCGGGGAGCATGGACACGATTGGCCCTAAAGTCTTCCC
CGCAAGGCCGTGGGCTGGACAGCGTGGTGACGTGCAACGCGGCGCAGGGTGAGAGCGCG
CGCTTGCGGACGCGGCGGCATTAAACGGTTGCAGGCGTAGCAGAGTGGTGGTGTCTTTT
TAGGTCTCAGCCGGTCTGCGGACGTTCCGCCGCTGCTCTGAGGCTCCTGAAGCCGAAA
>EP74527 (+) Hs MLF2 P1; range -499 to 100.

CCCCGAGGAAAACCTGCCATCTCCTCTAGGGTAGACTGCTTCTCCAGTAGAGTCGGC
TTAAAGCTCCCCCAGGGATCCGCCCGCCTCGTCGCCACAGAGCGCCCGCCTCTCCCC
AAGGGGATCTGCCCCCTGTCCTCCAGTTTCCCTTGAGGAGGGAGAGAGAACGTGCTGC
ACTGCGCCCCCAGGTTCAACCTCCAACCCGGTCCCTCCCGAAGAATGGATTCTCTTCTC

CTTCTCTCCCTGCTTATGGGAGCCTCTTCCAGTCCACAGAACCCAAATCGAGGTTAC
TAATGAGCTCCCTTCTTCGTGCCCAGGGGACCCCTCTCGGCCTCAGGCTCTGCTCCCT
GAGCTTGGCCCATGGCCCCGCGCCCCCTGGGACTCGGCCCCAGCCATCTCACCACCCGCG
CCAGGGGGGCGGGCTCCACGGCCCCGCCCCGGGTGGGCGGGTCTATCGTGACGTCACTT
CCGCCCCGGGCTGGCCGAGGTTCCGGCTCCGTTGGCCGAGGGGGCCGTACGGAGGTGGCA
GCTGTGGGAGGAGGCGGCTGGAAGGCCGAGGAGCTCAAGCCCGACCAATCCCCACGTT
>EP74528 (+) Hs MLF2 P2+; range -499 to 100.

GGCTTAAAGCTCCCCCAGGGATCCGCCCCGCTCGTCGCCACAGAGCGCCGCTCTC
CCCAAGGGGCATCTGCCCCCTGTCTCCAGTTTCCCTTGAGGAGGGAGAGAGAACGTGC
TGCACTGCGCCCCAGGTTCAACCTCCAACCCGGTCCCTCCGAAGAATGGATTCTCTT
CTCCTTCTCCTCCCCTGCCTTATGGGAGCCTCTTCCAGTCCACAGAACCCAAATCGAGGT
TACTAATGAGCTCCCTTCTTCGTGCCCAGGGGACCCCTCTCGGCCTCAGGCTCTGCTCC
CCTGAGCTTGGCCCATGGCCCCGCGCCCCCTGGGACTCGGCCCCAGCCATCTCACCACCC
GCGCCAGGGGGCGGGGCTCCACGGCCCCGCCCCGGGTGGGCGGGTCTATCGTGACGTCA
CTTCCGCCGGGCTGGCCGAGGTTCCGGCTCCGTTGGCCGAGGGGGCCGTACGGAGGTG
GCAGCTGTGGGAGGAGGCGGCTGGAAGGCCGAGGAGCTCAAGCCCGACCAATCCCCAC
GTTCCGGGCCGCGACCTGACCCTGCAGCTACCGGGAAGCGAAACCGGCCGGATGGGCC
>EP74529 (+) Hs DHPS; range -499 to 100.

CCTGTATCAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAGGAAGAAAGGCCTAAAGGCGCCGGGCG
CGGTGGGTACACGCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGCGAATCACGAGGT
CAGGAGATCGAGACCAGGTGAAACCCGCTCTACTAAAAATACAAAAAATTAGCCGGG
CGTGGTGGTGGGCGCTGTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAACAGCGTG
AACCCGAAAGCGGAGCTGGCAGTGAGCTGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTG
ACAGAGCGAGACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAGAAAGGGCTAAA
GGCTCCTCGCGGCTTCCGTATTACGGAACACACGCACAAAAATGGCGGCGACCTGGTTTA
CAGGGGCTAAAAATGGTCACGTGATAAACCAACTTCCGGTCTTTCGCCCAAAGCACGTTT
CCTACTTCTGTGCTCTTGCGGAGACGCGCGCTCGGGGTTTAACGCGTTTCTGGGCCGC
CGTAAGCCCGGCTAGGGGCGAGCTTTGACTCGAGAGCCGGCTATAGGCGCATGGAAGGTT
>EP74530 (+) Hs MRPL3 P1; range -499 to 100.

AGCCCTAGAAGGCATACATCATTTCTATGGGTGTAGTCTATTGATAACACATGCCAACCC
TGTTTCAGTGCCAACTCTGCTCCTCTGCCAGATGTGTTGTTTTGGACCAGCACCTAAATT
CTGAGTCAGTTTCTCATTTATAATAGAAAAATAAATACTTCTTTTCAGGACCGTTTTTT
ATGATTAACAAATATAGGATTATGAGCGCTGCTTAGCATAATGCCTCACAACGG
GCACTATTTAGAAAGTGCTTCAATTTTCTTAGCGTCTCAGGAAGTCTGTCTTATTCTT
CTAAAGTTTAAACTCTGAACATCCCTTTTATTTTACCCCTGGAGAGGCGAGTCAGTCCCT
TCCACCCCTACCTACTCCAACCTCACATCCAAAGTAGGACAACGGTGGAAGCAGAACTAT
AGTTTCCGGGGAGCGACTCGAGTGCCCGGAGTTCATTGTAACACGCACCGGAAGTGGGTG
CGGCGGCTTTCTTTCCGTGCGAGAGCATCGGCCGGCGACCGTTCCGGCGGCCATTGCG
AAAACCTTCCCACGGCTACTGCGTCCACGTGGCGGTGGCGTGGGACTCCCTGAAAGCAG
>EP74531 (+) Hs MRPL3 P2+; range -499 to 100.

ACCCTGTTTCAGTGCCAACTCTGCTCCTCTGCCAGATGTGTTGTTTTGGACCAGCACCTA
AATTCTGAGTCAGTTTCTCATTTATAATAGAAAAATAAATACTTCTTTTCAGGACCGTT
TTTTATGATTAACAAATATAGGATTATGAAGCGCTGCTTAGCATAATGCATTGCCTCACA
ACGGGCACTATTTAGAAGTGCTTCAATTTTCTTAGCGTCTCAGGAAGTCTGTCTTAT
TCTTCTAAAGTTTAAACTCTGAACATCCCTTTTATTTTACCCCTGGAGAGGCGAGTCAGT
CCCTTCCCACCCTACCTACTCCAACCTCACATCCAAAGTAGGACAACGGTGGAAGCAGAA
CTATAGTTTCCGGGGAGCGACTCGAGTGCCCGGAGTTCATTGTAACACGCACCGGAAGTG
GGTCCGGCGGCTTTCTTTCCGTGCGAGAGCATCGGCCGGCGACCGTTCCGGCGGCCATTGCG
TGCGAAAACCTTCCCACGGCTACTGCGTCCACGTGGCGGTGGCGTGGGACTCCCTGAAA
GCAGAGCGGCAGGGCGCCCGAAGTCGTGAGTCGAGTCTTCCCGGGCTAATCCATGCCGG
>EP74532 (+) Hs CCT4; range -499 to 100.

GTCGGGAGTTCGAGACCGGCTGGCCAACATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAAATACA
AAAATTAGCTGGGCATGGTGGCGGACGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGAG
GATCGCTTGAACCTGGGAGGCGGAGGCTGCAGTGAGCCGAGATTTGCGCCACTGCACTC
CAGCCTGGGCAACAGAGTGAGACTGTATCAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGA
GGGGACCTCATAGCCGTGCAAGGTGGAGTGAGGAAATGCGGATGTCTCACCCTCGCCT
TTAAAATCGCGCTTGTGCTGCTGCGTAAAGGTTCCCCCGGCGCTTTTACCCA
CAGCGCCCCGGGCGTACAATCTCGCCAGCCCGGAGCCACCGCACGCATCCTCCTCGCCC
GGCGCGCAGCGGACAGCCTCTACGTACGCGCAGCGCGCGCGCAAGGAAGGCCCTT
CTCCGCTCCGCTCCTCCGACGCCGGCGCCGCTTTCTGGAAGGTTCTGTAAGGCAGTG
AGGGCTTACCGTTATTACTGCGGCCGGCCAGAATCCGGGTCCATCCGTCTTCCCGAG
>EP74533 (+) Hs MEST; range -499 to 100.

TCAGTACCCACGCTTGAACGAGGGATGGGAGCAGGCGCCACGGCCGGCACCCAGAGCC
CTGCTGCCCCCTAGTTCGAGCGGCCATCCTCCTGTGGGGCTTGTGGGCAGCCTGTGGGT
TTGTGGGCGGCTGTGGGGTTGTGGGTGGTCTAAGGAAAGAGTTGGGGCACTCAGGGGT

CTGCTGTTTTTGGCCGTGGCCTTAACATCATCAGGGGAGGGTTTCTGCAGCAGAATCTCGG
GCTCAGGGTTGGCGGTTAACGAGGGAGCAGCGGGGTTCTTGGGGAGGGGGCTCGACACCCC
TGAAGGTGCCCCCTAAAGGAGCCACTGTTAGAGGGGCACCCCATCTTTGTGGCCATGGCG
GTGGTAGAGCGGCTGGGAGGGGCTCTGCGGCGAGCAAGGGAGCAGGCGGTAGGGGTTCTG
CGGCGATGGGCGGGCTAGGGGCGGGGCGGGGTGGGCTCTAAAAGTCGGTGCCCACTCGC
TCCGCGCTGCCGCGGCAACCAGCACACCCCGGCACCTCCTCTGCGGCAGCTGCGCCTCGC
AAGCGCAGTGCCGCGAGCGACGCCGAGTGGCTGTAGCTGCCGGCGCGGCGCCGCCCTG
>EP74534 (+) Hs UBE2V2; range -499 to 100.

TATTTTTTTGAGGCGGAGTCTCGCTCTGTTGTCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCAATCGC
GGCTCATTGCCCTCCGCCTCCCCGGTTCAAACGATTCTCGTGCCTCAGCCTCCCAAATA
GCTGGGATTACAGGCGCGCGCCACCACGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTTAGTAGAGACG
GGGTTTCGCCATGTTGGCCAGGCTGTTTTGAACTCCTGACCTCGGGTGATCCGATCGCC
TCGGCCTCCCAAAGTGTGGGATTACAGACGTGAGCCACCGCGCCCGGCCCTCATGAACT
TATCTTTAGCGTTTCATTTTGAGAGCGGGATTACAAAGGAATTGCGGAAACAGCAGCG
AGGCCCGCGACCCCTCGGCCACGTGCGCGCTGTCCCTCGGGTCGCCCCGCGCCCGCCG
GGGCGGAGTCCGCTGTGACGCGTGCAGGGCGGCGGCTCCCGAAGTGACGCGCGACGG
TTCGTGCGTGCCTGCGGGCGGCTGCGTCCGGCTGCAGGAGAAGATGGCGGTCTCCACAGG
TCGGTTCCCGGGCGGGCTGCGTGTATTTCCGCTCCGACCCGGCTCTGCCCTCCGTCTG
>EP74535 (+) Hs PSMC6; range -499 to 100.

GATAAGCAGATCTACCTTTAATACCTCATTCACTGACTGAATGGATGAATAAACTGTCT
ACTTCTCCAGCACGTGGAGGTCTTGACAGTACTGTGTTATAACAAAGGCCATCTGTGTT
GTGTGCAGAGGCCATCGGAACTCCTTTGAGGTATTACACATTTCTACTTCACTTCCATC
TCAGTTTATTACAGAGCCTTTTATACTTCCGGGACAGCAGTGACTTAATACTGAGGCCTC
TCAGGGGAAGACCGGGATAACTGAGTCCTGCTTTACCTATCTCGGCTTGCAAGAAACGGT
ATAGGTGGAGGCCTCTTTCACTGTATGCCGCGCTCTAGGTGAACCGAGACATAGAGGTG
GAAGTGGAGTAGAAAGACGGGGCCAACCGGAAGGGGAGGGCTCATGGGCGAACCCACCCC
TCCAGGCAGGGTTTCGCCCTCGCCCCGCCCTTCCCCCGCCCGACGGCCATGGCCATT
CCCGGCATCCCTATGAGAGACGGCTTCTCATCATGGCGGACCCTAGAGATAAGGCGCTT
CAGGACTACCGCAAGAAGTTGCTTGAACACAAGGAGATCGACGGCGCTCTAAGGAGTGT
>EP74536 (+) Hs GCA; range -499 to 100.

CCTCCTGGACCACAGGTGTGGTCTGGTTGCAAAGTTTTGATGTGACATCAACACTACAC
AAAAGTAAATGTAACGTGAAAATTTGAAATTCACAGATGGGTCTTTGAAAGTCCAGTCA
AAAGCGTGGAGGGCTGGTTAAAATAAGTCACAGACTTGCCGGTTTGGGGTTTCTAGAAAAG
AAAAGTAACTTGAGGAGTTGAAGGCTTGTAGAAGACCTTTCCACAGAGAGTGGAATTCC
GTTGCAGCAGCCAAGGCTTCTTCGGATTAGAAGGAGAGCGCGGAGAACCTGAGGGAG
CCAGTAAGAGTCGAGCAGGGACTGGAGGGCTCCCGATGGGGTGAGCCAATCAGGGCAGA
GATGGGTGGGGTAGGCTGCGGGAAGGGGCGGACTGCAGCTGAGTTGGCTCCAAAGTGTG
GGACTCAGCCAATCGGAACCGTGCAGGGCGGGGCTGGCCTGCGGAAGGGGGCGGGTTCGG
AGGAGTGAAGTGTGCGTTAGTGCCTTTTCAAGCTCACCTGCAGCTGCGCCTCCTTGCA
CCTGCGCTGTGCTTTTTCTCCAGCACTGCGGACGCGACTCGAGGGTGACGCTCGCTCC
>EP74537 (+) Hs POLR2C; range -499 to 100.

GGTTAAAGAACATTGTATCTTTCTGAAGTTTTTCAGAAAGTGATGGTCCATACTTGAGA
CTGCAAGGGAAGGGTATTTACTTATAATTCAAGTATACTTTGCTAAAATATACATTCAT
ATTAATAATATACTTTTGTCTTCTATAGATGTACAAGTCTTTTAAAGTGCTTCATAGTA
TTCCATGTGTATACTCCACCAGGTCTCTTATCAATGGACAGTACAAACAGTACTACCA
CGAACGTCCCTGCACTCGTATCTTTGTTTACAAGTGAAGTGTCTGCAAGTATGAATTC
TTAGAAGTGTACTGTTAAGTGAAGGACGTATGCGTGTCTTGCCTAACTACCTCCGAGA
TAGCTGAATCTGGTACATTTTAAAGCAGGAGGCGCAGAAGACGCTCGGCAGTTCTGGCC
TCCGAGCAGCAGGCGGCGTGTGAGTGTCTTTGCGGAAGCCGCGGAGGCCTCGTGACT
GACTTCCGGTGTGGCGGTGGCGCGCAGTACCAGGAGCAGACGCGGAGGCTGGTG
GCCCTGGGCGAGATGCCGTACGCCAACAGCCTACCGTGCAGATCACGGAGCTCACTGA
>EP74538 (+) Hs YWHAE; range -499 to 100.

AGAAAAAACAACAACCCCATCAACAAGTGGCGGAAGGATATGAACAGACCTTCTCAA
AAGAAGACATTTATGCAACCAACAGACACATGAAAAATGCTCATCAACACTGGCCATCA
GAGAAATGCAAAATCAAAACCGCAATGAGATATCATCTACACAGTTAGAATGGCGATCA
TTAAAAAGTCAGGAAACAACAGGTGCTGGAGAGGATGGGGAGAAATAGGAACACTTTTAA
ACTGTTGTTGGGACTGTAACTAGTTCAACCATTTGTGGAAGTCAGTGTGGCGATTCTCA
GGGATCTAGAACTAGAAATACCATTTGACCCAGATATCCCATTAAGGTATATACCCAA
AGGAATATAAATCATGCTGCTATAAAGACACACGACACGTGTGTTTATTGCGGCACTAC
TCACAATAGCAAAGACTTGGAACCAACCCAAATGTCCAACAATGATAGACTGGATTAAGA
AAATGTGGCATATAGGCCTGGACGCGGAGCGAGAGGTGAGAGAGTTAGAGACACTATCC
ACTTCCATCAGTCACGACAGCCCTGCTGGAGCCACTGCTGCTGTGGATGATCGAGAGGAT
>EP74539 (+) Hs H2AF0; range -499 to 100.

GCCCATGGCCTTGACACAGATGCCGGTGTGCGGGTGGACCCGCTTCAGCACCTTGTACAC
GTAGATGGAGTAGCTCTCCTTGCAGCTGCGCTTGCCTTCTTCCGTCTTTCTTCTGGG

TTTGGTGACGGCTTTCTTGGAGCCCTTCTTGGGAGCCGGCGCGAACCTTGCAGGCTCAGG
CATGGCCAGACCAAGACCGACACCGACCCCCGAGAACGCAAGCAGAGCGGTAGGCTCGG
GGTCTACCGGAAACGACTGTGTACTTACAGAGGCTGTGCGCATGACGCTGCGTTATGGTT
CGCGAGTTTTCCGCGGCGCGCAATGCGAGGGAGACGAGATTATGTAAATGAGTGGATTCT
GGCTGAGCTATCCTATTGGCTATCGGGACAAAATTTGCTTGAGCCAATCAAAGTGCTCCG
TGGACAATCGCCGTTCTGTCTATAAAAAGGTGAAGCAGCGGCGTTTTCCGCGACTTTCCC
GATCGCCAGGCAGGAGTTTCTCTCGGTGACTACTATCGTGTCTATGTCTGGTCTGGCAA
GCAAGGAGGCAAGGCCCGCGCAAGGCCAAGTCGCGCTCGTCCCGCGTGGCCTTCAGTT
>EP74540 (+) Hs CD79A; range -499 to 100.

GTGACTAACATTTACTGGGCGCTACTGTGGGCCATTTCTGTGCATGTGACAACCCCTTT
AAGTCCTTGTCTTAATCCCAAGAAGCAAGGAAATGGGGTCAGGGAAGGGACAAGGTTTG
CCCAAGTCCAGGCAGGGGGAGAGGTCAAGCTCAGAACCATCACCTGCCCATGACACATGC
CCAGGACTCAGGTTCCCTAGGCTTCTTCCAAAGGCTCAGCAGTGACGAGCCAGCCCTTG
AACCAGCCTTCTCCCCACCAAGCAGCCACCTCTCAGGGGAATTGTGGCCACCACAGGT
GCAGGGAGCAGTTTCTCTCACTCACAGCCTGAAGCATACCCGGCAGGGGCTGTCCCCAG
GCCCAACAAGCAAAGGGGCCAGTAGCGAGGGCCACTGGAGCCCATCTCCGGGGGGCTGGG
CAGGAAGTAGGGTGGGTTTGGGGTAGGGATCTGGTACCCTGGGAGTGTCTGCAACTCAA
CTAACCAACCCACTGGGAGAGAAGATGCCTGGGGTCCAGGAGTCTCCAAAGCTCTGCCTGC
CACCATCTTCTCTCTCTCTCTGCTGTCTGTCTACCTGGGTATGTGGCCAAAGGGCAG
>EP74541 (+) Hs POLR2J; range -499 to 100.

CGGTATAGGCAGCCTGGGCAGGGGGCTTGTATAGATCTGCCTCTGGCCACGAGATCTTC
TGCTCCCCCTACGGCTGCTAGCCGAGCTGTCCACTACCCCTTAGCTTTATTCTCTCTAT
TCAGGGGCTCTGCTGCGCACTCAAGGGGGTGCACGTTTCAAAGAGAGATCAAGGGA
CATGGGGAAGGAGAAAGGTACAGCTTGAGGTTCCCGCTCAGCCAGGACTAGGAGGCCTC
TGTAAGGGGAGAACAGCCCTGCTGGCGCTCTGAGCATGCGCCGAAAAGCGCCACGGGGA
AAGCCATGCCGGGGTGCGGGGTGCGGGGTGGGGGGAGCGGTGCGCTCGCCACTGACGCA
TGCGCAGAGGCACTGGTCTCTCTCGGGTTTTCTCGCGCTGCGCAAGATCCTCCAGCCC
AACGGGGGGCGATGAGCCGATCCTTGGGCGGGTTTGCCCGCCGGAGTAATCCGGAAGAG
GCCTCTTATTAGGGCTCTGGTGGCGGGTGGCGGACACTTGGGGTCTGGACGCAACGGC
GGCGGGAGCATGAACGCCCTCCAGCCTTCGAGTCGTTCTTGTCTTTCGAGGGCGAGAAG
>EP74542 (+) Hs SNRPA1; range -499 to 100.

CCCTACCGTGCCCGAGGCCGGGCTGGACTTGCGGGGCGGTGGGGTTGTCCCGGCGACCTG
CCCCAGGCGGGCCACCTAGCCGGGATCTCACACTGTAGCCCGAGCCAAGGCCAGGCC
CGGGGCGGGCACCTGAATGCTGGACCTTCACTGAACCCACGGGTTCCCGCGACGGCT
GGTGGAGGGAGGACAGTCACCGCTTCCCTCCACCTCGAGGTGCGCTAATGCATGAGAA
AGTTCCCTCGGGTGTTCACATTCGCTTAACCTTTAAACACCAACGTCTGGAATCAG
GGGTCTCCAGACTCCGAAACACACCCTAGGAAACAACCCAGAACGAGACACATCCCTG
TGCGCGCGCCACGACTTCCGGCAAGAACGCCCCGGAGGCGTGGCTCTTCGATTGCTTCG
GCCTGGCGGTGAGCTGCGCGCGCACTCGGCGGTGCGATTGGTGTCTGCCTGGCGGCGGG
GCGCGGGGACGCTGGGACGTCTCGCTGGCGGGAGGCCACGGGCTTTCCACAGCGCGGGG
GAACGGGAGGCTGCAGGATGGTCAAGCTGACGGCGGAGTGATCGAGCAGGCGGCGCAGT
>EP74543 (+) Hs NDUFS5; range -499 to 100.

CTCACTAATGGCTAGGCCTTCCCTGTGTCTCTGTAATTGATGGGTTTGGGTTTTTTTCC
TTTCTCTCTCTACCTCCTCTCTCTTCTCATCCTCTCTCTCACTCTCCCCCTGA
GATAAGGTCTTGCTCTGTTGCCAGGGCTGGAATGCAATGGAATGGTGTGATCATGGCTCA
CTACAGCCTCAATCTCCTGGGCTCAAGGGATCCTCCACCTCAACCTCCTGAGTAGCTGG
AACCACAGGCATGCACCACCTCGCCGGCTAATTTTTATTTTTTGAGAGAGGGGAGTT
TCGCCATGTTGCCAGGCTGTTTTGAACTCCTGGGCTGAAGTGATCTTCTCCTCAGC
CTTCCAAGGTGCTGGGATTGCAGAGCTCAGCCACCGTACCAGGCCAACGGGCTCGGTTTC
TATGGTTTTGTGGGAGACGGCTGAGGGAAGGTGCGCTTCCGGCGTGCCTGCAAACGT
CTCGCTGAGGTATCTTTACGGCAGGCGTCCGCGTCTGCTAGCTAGTCGTTCTGAAGCGG
CGGCCAGAGAAGAGTCAAGGGCACGAGCATCGGGTAGGTAGGGGCTGCTTATGTCCGCGC
>EP74544 (+) Hs TCEA2; range -499 to 100.

CAGTGTGCGCGGGCCTTGAAGAAGTAACCTACTCAGAAGCCCGAATGACCCAAACTG
GGCTCTGGGAGGCTGGGGACGCCTTCTAGGCCAAGTGGGGCGCGCAGGGCTCAGCGG
GGCCCAAGAGAAGGGCTGAGGGCACTGGGTCTGAGCCACCCACGAAGGACGCCGCGGG
ACAGCAAGGCCCGAAGCAGGAGGAGAGAAGGGAGCAGATTCTGGGCCCTCTGGGGCCCG
GTCGCTCCGGGATGTCTGAGTCTGGGAGGGGCGTGCCCGGGGCGCCTCCTCGCGGGGT
ATTGTGGGATCACGAGTCACTGGCGACGGTGGGTGAGGACTACACTTCCAGGAGGCTGT
GCGCGCCGCGTGGCGCCTGGGAGTTGTGGTCCAGAGCGCGGGCGCGGCGGGCGCGGCAGG
CGGGCGCGTGGACTACGCATCCTAGGATGCCGCGCGCGGGCGCGGGGCGGAGGTTTGAA
CCGGGGGTCTGTCTCGCGCGGGGCTGCGTCCGCTGCGGCGGGTGTGGGAGGTGGCGA
CGGCCGGGGCCGGGCTCTGCCGGCTGCGGAGGCGGGCGCGACGGGCGCGGGGTGCT
>EP74545 (+) Hs IRF1; range -499 to 100.

GAGCCAGGCTGCCAGTCGGGAGATTGCGCCAGTGTTCCCACTGGAGAGGGCGGCAAGTG

CCCGGGCGATCCCTCACCTGCGTTGCGGAGATATACCCCCGCCCCGCCCCGAGGAG
GGTGAAAAGATGGCCCCAGGAGCCAGCCGGCTGGGACAAGGCGGAGTGAGAGGACAGGCT
GGGGCCAGGGGCGCTGGGCTGTCCCGGGCAGCCCTCCTCCGGGCAAGCCGGAGCAGGGGT
GGATTGGGAGCGCTCGGGGCGGGCCGCGGTGGCCCCGGGGCGGTGGCGCCCGCCGGAG
AGGGTGGGGCGGAGCAGCCGCCCTGTACTTCCCTTCGCCGCTAGCTCTACAACAGCCTG
ATTTCCCCGAAATGACGGCACGAGCCGGCCAATGGGCGCCCGCGCGGTGTCCGGGGG
GGGGCCGGCCAGGGCTGGGAATCCCGCTAAGTGTGGATTGCTCGGTGGCGCCGCTGC
CCTGGCAGAGCTCGCCACTCCTTAGTCGAGGCAAGACGTGCGCCCGAGCCCCGCCGAACC
GAGGCCACCCGAGCCGTGCCAGTCCACGCCGGCCGTGCCGGCGGCCTTAAGAACCCG
>EP74546 (+) Hs UCP2; range -499 to 100.

CCCCAGTCCCGCCCTGCAGGAGCCAGCCGCGCGCTCGCTCGCAGGAGGGTGGGTAGTTTG
CCCAGCGTAGGGGGGCTGGGCCCATAAAAGAGGAAGTGCCTTAAGACACGGCCCCGCTG
GACGCTGTTAGAAACCGTCTTGCTGGGAAGGCAAGAGGTGTGTGACTGGACAAGACTTG
TTTCTGGCGGTCACTTTGCCATCTCACAGAGGTTGGCGGCCGAGAGAGTGTGAGGCA
GAGGCGGGGAGTGGCAAGGGAGTGACCATCTCGGGGAACGAAGGAGTAAACGCGGTGATG
GGACGCACGGAACGGGAGTGAGAAAGTCATGGAGAGAACCCTAGGCGGGGCGGTCCCC
GCGGAAAGGCGGTGCTCCAGGGTCTCCGCACCCAAGTAGGAGTGGCAGGCCCGGCCCC
GCCCGCAGGCCCCACCCCGGGCCCCGCGCCGAGGCTTAAGCGCGCCGCGCCTGCGC
GGAGCCCCACTGCGAAGCCCAGCTGCGCGCGCCTTGGGATTGACTGTCCACGCTCGCCCC
GCTCGTCCGACGCGCCTCCGCCAGCCGACAGACACAGCCGACGCACTGCCGTGTTCTC
>EP74547 (+) Hs HMGB2; range -499 to 100.

GAGGAAGGGCAAGGCAGACCTTCTGTACCTTAGCGCCAGCAAACCGAGCCGCCGCCG
TCGCCAAGCCAGGAGACCAACCCCCAGTCTCCGACTAAGTATTTTTAAATCTGGCGGGG
CTTTCCTTCCCGAGCCAACCACTCCACCGTTTACAGCCCCAACCACTCAGCGTGAGGCC
CGCCATTTTTCAAACCTCTTCCCGCCCAATCAGGATCGAGCAGTACATTCTCTCCT
GACCGGTTCTAACGGGTCTGGGAGTTAACGACCTGGGCGACCCACCGAACCTGCTAGGCT
GGGGCGTGGAGGGCGGGTCTGGTAAGACACTGACCAATCGTTAGCCTCCGTGGCAAGGGG
GCGGGGACTATCTGGGTTGAATAATCGTCAGAACCAATCAGATTAGTGGGGATGTGGCC
CGTGGCCTAGCTCGTCAAGTTGCCGTGGCGCGGAGAACTCTGCAAAACAAGAGGCTGAGG
ATTGCGTTAGAGATAAACCAAGTTCACGCCGGAGCCCCGTGAGGGAAGCGTCTCCGTTGGG
TCCGGCCGCTCTGCGGGACTCTGAGGAAAAGCTCGCACCAGGCAAGAATACCTCCAATA
>EP74548 (+) Hs DARS; range -499 to 100.

CCTCCGTCCTCCCAAGCAGCTACGTGCCCCAGGGGAAGAGAGAAGGCGGGAAAGTCCAAGAG
AGGAGAAACCAAGGCCCGCGCTTAGGTGGGTGTTTTAGTGACGAGTCTCGGTTACAGCC
GAGCGGAGTTGAAAGGGCTGTAGAAGAATGGAGCAGAAGTCGAGTTGGGACGAAGCTG
AAGAGAGCTGGCATTGCCCCAGGTCTACAGCCAGCCACCTGGTAACCCCTGCCCCGCCC
CCAGAGCCAATCCAGCGAAACTACCGCAATTCCCGGAATTCCCTCCAACCTCGGGGAAA
ACTCCCGAGGGGCGGGGCAAGAGTGGGAGGAGACCCTGCGCGCGGCCGCCAGCGCTCCG
GGATCTCGAGATAGCCGAGCTCTCGCATCTTTCTGGAGCCGACCTCCACGCGGAGTC
CGAGCGCGTGTGCTGAGACCCAGGGTCTGGGAGGGCGGAGACTGGGAGGGAGGGAGAAGC
CCCTTTGGCCTGCCTTACGGAAGCCTGCGAGGGAGGGTGGTGTCCACTGCCAGTTCCGT
GTCCCGATGCCAGCGCCAGCGCCAGCCGAAGAGTCAGGAGAAGCCGCGGGAGATCATG
>EP74549 (+) Hs NTS; range -499 to 100.

TAAACATTTGCTCAGAAGTTGAATTACCAGAGAAGCACCTAACTCTTCAAGAACTTCC
AAGCCTAAGGAATCACTGATTTTCATGCATTCATCCTGGAGATTTTCCTTAAAAATTAGAA
ATAACAGATCTCATGTTTCACAAAATCAAATGACAACCTTTGGAGTGGGGGAATGAGAA
GTGGGAAAAGGATGATACTGGGGTTCTTTGTGAGTATGCTGTATGTATGCTGTATGTCA
GTGCAGTTGAATGACTCCTTCTGTGCTCAGAAATCCAAAGCAGCAGCAGCAATTAG
GGAAGATCGTCACTTTCACTCAAGTTTCAAGAAATGGGGGAGGAGAGCAGGGGGACAAAG
GAAAAGGGGAGGAGAAAGCAGGGGCAAGAGGGGAGGGATGGAGGTGAAGATAGGGCACAT
CCTGCAAAGATAATGTCTGTACAATCAATGACATCATCCTCCTGCTTATATATATAGGGG
AATGGCCAGAGCACCTCTCATAGTTCACTCACTTTCAAAGCCAGCTGAAGGAAAGAGGAA
GTGCTAGAGAGAGCCCCCTTCACTGTGCTTCTGACTTTTACGGAAGTGGCTTGTAGAAAG
>EP74550 (+) Hs ATP5G1; range -499 to 100.

GCGGTCTTTCCACAAACCTCCACGGTGGGAATTACTGCAAAGGCATCGGCTCTCCCGGCC
TAGAATATCTCGCGGATCTCAGCTGTCTTGGGCCCCCCCCCTCAGCGCAACTACCAAT
CCCAACATGCAACGCGCCCCGTGGCCCAAGCGCCGAATGAAGGCTCGGGGCCAAAGTCA
TGTGTCTGACTGCGTCACACGTCCCGTCATCTCTCCACGCCTTTTTCTTCAGCGTACAC
CTTGGTCGCCATCTTGTGCGCGAGGTTATGGAACCTCTGAGTCCCGCCAACTCTATGGTC
GAGCGTTTACAGGATCGGCCAATCGTAATCCAGATCTCGTAGGAAAGCCCCGCTCTATC
CGCATGGAGGCGGGAATTGCCACGAAGCTCCTGTGGAGGGAGAGGAAGCAGCTGCGGAAA
GCCAATAAGAGTGGGGAATCGATGACGTCAACCAATGGGGACGCGGGGATATTACGGCCA
ATGAGAATGGAGAAGGTCCAGGACACGTGGGTGGGGGAAGCTGAGCGCTGAGACCAAGGG
CTAAAGCTGGGAGGTGAGTCTGTACCTTGAGCCGGGCGAGCGCTGTGGGCCAAGCAGGG
>EP74551 (+) Hs HNMT; range -499 to 100.

GGCCCCAAACAATCCCGTAGAAAGCACAGAGGCAGATGACAGTCTTCCGTTAAAGATTTC
ACTGCTGTAGATTTCTGAGAGTGCTGTGTAGCTGTCCTTTTATCCTGGTGTGTTGCCACT
TCGAACAGTCACTTTCCCACTTGGAACCTACTTGTGGCTTTGCTGACAAAACAGGAAGTG
ATTTGAATACAGTTTGTGTTTTATGACCTTTCAACCTCAGGAATTTGAAAAGTTTTCAGCAG
TGGATTTACAGCCTTGCTTAATACTTCTATTTCTTACAAAACAACCGTATAGGGGTTAAA
GTATCAGTGCAAAGTCCCGTTCAAATATTGACTCAGTAATGAGCTCTACAAGCCAGCCTT
TGTGGCATGTTAAATTCAAAACAAGCTTAGCATTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGATAGAACT
GGTGGGGGTGGGGAAGAAAGAGGGAAGTGGGAAGAGAAGGAGGGGAAGTTAAACCTTGC
TTCCTGCTCTGCTTTCTCAGAAAACCAAATATGGCATCTTCCATGAGGAGCTTGTTTTTC
TGACCACGGGAATATGTTGAATCTTTCCGGAGGTTTCTCAACCATCCACGGAACACCA
>EP74552 (+) Hs S100A4; range -499 to 100.

AAAAAAAAAATTGTTTTCTTTTATAGAGACAGAAGTCTCTCTATGTTGCCTAGGCTGG
TCTTGAACCTCTGGCCTCAGGCGATCCTCCCATCTCCCCCTAGCTTTTGTGTACACCACA
TTTCCAGGGCAATCTCCACCTGTCAACCCACCACCCCTGCATCTCCTTTCTAGGTCCC
CATGGGACTACTCCCTGTCCCCCATGCTCCAGGCACAGGCTGCCCCCTCCTCCACCTCTC
TAAAACTCAGGCTGAGCTATGTACACTGGGTGGTGCCCATCTCATCAGTCCCCTGCTAG
TAACCGCTAGGGCTTACCCGTTACCCACGGGTGCCACCTGGGAACAGGAGGCTTGTTTC
CACGGCTGGGCTGGTGAGGGTGCTGTGGCACTTACCGCATCAGCCACAGCAGGAAGGC
AGTATCCGCTCTCCCTGTCCCTGCTATGGGCAGGGCCTGGCTGGGGTATAAATAGGTC
AGACCTCTGGGCGTCCCCATTCTTCCCTCTCTACAACCTCTCTCCTCAGCGCTTCTT
CTTTCTTGTTTTGGTGAGTTGTGTTGGCCTGACTGGCATGCAAGGGGTGTCAGAGGCCAG
>EP74553 (+) Hs MRPS21; range -499 to 100.

TTCACCTTATGTAGTTAAATTAGTGGGAAGATGATATAGGAACTCACAGTATGTTTATT
TCTTTTCTTAGCACTTAGGCAGATGACGTGTATGAATCAATCTATTTTTCGTCCGGAGA
GCAGATCTCAAAGAGTCTGTCTTTCAAAGAGAAAACAGGAAGCATCCTCAGGAAGCGC
CTACTTCTCTGTTTTCCATCGAAGAGAGAAATGGCTCAAATATTTATCAAGGATTTCA
CAGGATTAAGGGGTATGAAATTGGGCTGACCTTCTCAGAGGCCGAAGGACTTCGACTCCA
TGAGAGGGCGAGAAACGTGTTTCGGGGGAATTTAAGTCAATGAGTATTTTGCTTTGTCAG
GTGTAGAGTCCAGGCCCGGGGAAGAGAGGCAGTCAACAGAGGCCAGAAAGGACGTTGCTA
TGGTTTCCACGCACGTTGTCTCCCTCGGCTGTTTCTTTGCGCGGCGCTGGCGATTCCGT
AATTTCCGCTTCCGGTAGTGAGAACCTTCCGGTGGGCTAGGTACTGAGCGCGCGAGGTG
AGGAGTTGTGCAAGGTTTGGGGAAGGAAGGCTGGCTTGGCGAGAGGGCAGGTTTGGGG
>EP74554 (+) Hs HNRPA; range -499 to 100.

ATCCCTCCGACCGTGCTGAGGGCTTGGAGGACCCACTCGCCCAACCTCGGAAGCCCG
GGTCTGCCACTTCCAGCCACGCGTCTTGGGCTGCGAACTTTCTCCAGCCAGTTTCC
TCTTTTGGGACATGGGGAGGCGGAGGCTGCCAATGCTGGGATGGAGTCTCGAGAGCAAG
AGACCAGCGGCTCGACGAGCTTACAATCCGATTAGGCCCTCCACCGATGTGCTGTAGC
TGCCCGCGCGCTTGACCCGCGCGCTCCCGCCGGCTTCGGGAGCCCTCCGTAGCGGCC
GGACTCGCGCGCTTCTAAAATGAGGACAAAGCCCGCCAGGTCTAGAGCGCGCGCGCCG
TGGCGGCAATGGGACGCTGAAGCTAGGTTGAGTGACGGACTTGAGCAGCCAATGAGTGT
GCAGTTTGTGCGATGTGGCACCCGGCTCCGGCATTATAAAGGGCGCCACGAGTCGGCAT
TGTCAGGCGGCGCACCGCGCGGACGGAGCTTGGCTGTTGGTTCGGTGGGTTCCCGTGC
GCGGCGGCCAAGGAGGAGGAGACACAGTTGGAGCAGCTCCGTGGGCTGACTGGGGCGAGG
>EP74555 (+) Hs HLA-DPB1; range -499 to 100.

CAAAGGCAAGACAGACAGACTCAGACCTCATTTGAGTTCTGAGATGGGTACTCTAATCCC
TCTAAGTCATGCCACTGAATGACCTTTACACACTAAGATAGCACTTTTCCACAACAGA
CCATGTCTGTGGGTGTGTGAGGTGTGGCAGAATTGGGGAATGATAATCCCTGTAGATG
GGCCAGCAGAATATTTGAGATCACCTTCAGAGCAAAGAAAACGCATAATCTCCCCAAACA
TCATGACTTATCTGACTGGTTAAATGAGTATCACTGTCTTTCTCCGTATCTTAAGTG
CATCACAGGCTTATATTTTACAGACCTTTTCACTAATACTTTCTGCCTAGTGAGCAATGAC
TCATACAAAGCTCAGTGTCCATTGGTTCTTTCTCAGACTCTGTCCAATCCCAGGGTCAC
AGAAGACTACTTGGGTTTATGGTCTCTAATATTTCAAACAGGAGCTCCCTTTAGCGAGTC
CTTCTTTTCTGACTGCAGCTCTTTTCAATTTGCCATCTTTTCCAGCTCCATGATGGTT
CTGCAGGTTTCTGCGGCCCCCGGACAGTGGCTCTGACGGCGTTACTGATGGTGCTGCTC
>EP74556 (+) Hs UBL1; range -499 to 100.

GTAGCCGTCAAGATTGTGTTGGGTGCTTGTCTTTCTGTTGTTTTAAATCACGGTCATGTG
TTTGGCAAGGGTGTGTTAACCGAAAATGTTGGTTCTAGAGCTAGAAGTACTGGCATTTC
AAATAAACATATTTGGGGGTTGGGGGTTGATGAGCAAGGCTGGGAGGAGACAAAAGAAGT
ATCTCGGCTCAGTCGTGAGAGACGCGCAAGGTGTAACGGAGAGAGCAATCTAGGTTGTGA
GAGTGGCTCCAAACATTGAGACATGGAGCCAGGACCTTTGCTCCTGGGGGATGGCCCTAG
TACTGATGCGCAGGACCTGGTCTTGAAGGAGCTGACAAAACCTGCCGTTACCCGCGCGA
CCACCGGCAAAGCAGCTCCACAGCCTGCCCTCCCTTGGCTGCTCCCCACCCATTTC
CGCCTTGTCTTTCTCTCTCTCTCTCCCTCCTCCCTGCGCGAAGCGGAAGTGACGCG
AGGCGTAGCGGAAGTACTGCAGCCGCGGTGTTGTGCTGTGGGGAAGGAGAAGGATTG
TAAACCCCGAGCGAGGTTCTGCTTACCCGAGGCCGCTGCTGTGCGGAGACCCCGGGTG

>EP74557 (+) Hs DECR1; range -499 to 100.

GAAGCTGCCCTTAGTGTCTTTTACGCTCTTGGTCTTAGGGAAAGTGAGGCCGTGTTTAC
ATCCAACATATTATTATTCTGATAATATGTGACTTGGCGCCACGCGCACTCTGCACTTAA
ACACGCACTTAAGGGATAAACACATACGACTGAAAAAGAGTTTCGCCCTTGATAGGCAGT
GTATGGGGTGCGCAGCTGCAATCTGCAAACCTTGCAGGGCGCGGGGTTTCGTACACCCG
CTCAAGGACGCAAAGAACCTCCATTCTCTGCCATACAAAGCACTCCTGGCCCAGAGAGCA
GGAAAGAGCATCAGCTAGGCCAGCTAGGGCGCGCCCTCGGCCGCACTCTGAAGGTCAGG
GCCGCTGGGCGTCCACGCCGCTGGGTCCAGTCCCCGTCCCATCCCCGGCGGCCCTAGG
CAGCGTTTCCAGCCCCGAGAACTTTGTTCTTTTGTCCCGCCCCCTGCGCCCAACCGCCT
GCCCGCCTTCCGGCCGAGTTCTGGAGACTCAACATGAAGCTACCGGCCAGGGTTTTCT
TACTCTGGGGTCCCGGCTGCCCTGTGGCCTCGCTCCTCGGAGGGTAAGGCGGCCGGGGG

>EP74558 (+) Hs SDCBP; range -499 to 100.

GAGAAGGGGTCTGAGAGGAACGTTTCTGAGCCTATAGTGGAGAGGTACAGCAAGCGGAG
AGTGAGACTAGGGCAGCAAGTGGTGGAAGTCGAAGGCATCCCAAGAGGGAACAGGGGCTC
CCGAGACCTCTTTGAATTGGAGGCGACGAGAACCAAGCGACCGTGAGCTGCGATGCACAC
AGTAGTGAGTGGGTGGCAGGGGCGCGGGCACGAACAGCCGAAGAGCGGAGAAGACTG
GGAGCATAACCGCTGGGCGAGGGGACGCGGACAGCGGGCGCATGAACGCCCCACTTTG
CCGGATACCTGGAGCTGCAGGAACGACCCACACCCAGGCCTTTTACCCCTACCGCCCCG
TTACCTTGGGGACGGGATCACCCGACCCGCGCGCTGCGACTGCGCGGGCTGAAGGCGGG
GGCGGTGCCATGACGCGCCTCGGGGGCGGTCTCGGGCGCGCACCGCTCTTTACACTCG
GGCCTCAGAAGTCCGTGCCAGTGACCGGAGGCGGGCGCGCGAGCGGTTCTTGTTGGCT
AGGTGAGAGGCCAAGGGGGCAAGGAGGGACGCCGGTGCCAGGTCCCGGGCGCGGGGACTT

>EP74559 (+) Hs GYPC; range -499 to 100.

TTCTTCTGTTTTGGAATGATCTTTGCTCAACAGCCCATCCATGAGTACAGGGCCCCCAA
AGGCCAACAAAGACAGGGACTCTCTCCAGGGACAAATGCCCCGAGCTGAGAGAGGCCGCC
CAGCTATCCAGCGGCCGCGCAGCCAGCCAAGATTTCAACACAGGTCTGCCTATTTGGTC
ACCATCCCCGACAGTGCTGGGCCAGGCCATCATGTACATTGGGGAGTTTTCCCTGCACT
CCAGGGGGGAATTCTCAACCACAACCTCTGTATCCGGTAGTGGCAGATGGAAAGAGAAACG
GTTAGAAAAGCGTGTTCTTGGCAGGAAAGTTGGAGCAAAGAAGAGTTTCAAGTGGGC
GGGTGTGTGTTAAAAAAGGGGGTGGAAACCCACAGCCAAGTCTGCAGAAAA
AAAATAAATGAAGTCTGCCTATCTCCGGGCCAGAGCCCCCTCCCTCGGCCGCGCGGGAG
GAGTGTGACCCAGGTGCCGCTTCTCTCGCCGCGGAGGGTCAGGAGCCGGGAGCGCGAC
CCTCCCCGGCCCGGCTGGCCCGGCTGGCCAGTCCCCGCGGTCTTGCCCCGGGTGAC

>EP74560 (+) Hs MDK; range -499 to 100.

GTGGGCGCGCCCCCTCCCCAGCAGCAGGGCGCCAGGGCTGAGCCGGCCGTGGAGG
GGAGCGGGTCCCGCGGGTTATACAGGCGCCGGGGCTCCGCGGCAGGCAAGAGAAGCTGAG
GCCTGAGAACGCCCGGGCTTGGCGTACGGCAGGGGACGACCTGGGATGGGGGACGCGG
GCGGCGGCGCAGGGAGTGGGCGGGGGCCGGTGTGCGCGGGCGGGACGGGGCCGGGGT
GGGAGACCACCGCTCGGAAGATGGGGCCGGGAGAGGCCGCCGTGCGAGCGCAGAGGGCAC
CGGCGGGGAGACGCGAGGACGCGGGGCCGGGAACACGGACGCCGGAGTAGAAGCGCGGGG
GGCGCGGGCTGGAGCGGGGCGGGGACGCCGGGTGCGGGGCGGTGCGGGTTTGAGGGGA
GGGGGCGGGGCGGGTCTTCCCTGGGGGGTGGGGAGAGGGGGCGGGGCCCATGTGACC
GGCTCAGACCGTTCTGGAGACAAAAGGGGCCGCGGCGGCCGAGCGGGACGGGCCCGGC
GCGGGAGGGAGCGAAGCAGCGCGGGCAGCGAGCGAGTGAGCGCGCGCGGCCCTGTGCC

>EP74561 (+) Hs SDC1; range -499 to 100.

GCCGGGGTGTGTCTGTGTGTTTGGCCGTGCGTTGAAGGCCCCATCGCCCCGGGTCCC
CGCCCTGCCCCAGAAAGCGTTCCCAAGAGAGCTAGGAGTCTTGCACACTGGAGCGCGC
TCCGCGTCCACGCCAGAGGGCGCTGCACACTCGCGCCGAGGACTGCCTGCCCCCTTC
AGCCCCCTCCCCGGGTGCGCTTCCGCACTCCGGGCCGGGAGAGGGGGTGCGCCTCG
GCCCCACCAACAGGGAGCAGCCGAGCTGAAAGGCCGGGAACCGCGGCTTGCGGGGACCA
CAGCTCCCGAAAGCGACGTTTCGGCCACCGAGGAGCGGGAGCCAAGCAGGCAAGAACCTT
AGGAGCGGGCCGGGGTGGGGCGTTCCGAAGGGGCCGGGAGGGGTGGCTGGGGGGCGGGG
TCCTGGGGGGTGTGACTGGGGCTGGCCGGGAGACCTGGCGGAGCTGGGGGTGGGGGGCC
AGTTTTTGAACGGCTAAGGAAGGGCCTGTGGGTTTATTATAAGGCGGAGCTCGGCGGGA
GAGGTGCGGGCCGAATCCGAGCCGAGCGGAGAGGAATCCGGCAGTAGAGAGCGGACTCCA

>EP74562 (+) Hs PSMA1; range -499 to 100.

CCAACCTTAATGCAATAAAAAGCATGTACACAAACAAGATACTCGAGGAAGAATACAGCT
GACACACAGAAACGGATCGTTATCTTGTGGCTTTCCTGCAGCCTCGTTCTTTTCAGTAC
ATAACACCCCAATCTGTGGACGGTTAATGAGAGCTAGTATCACCCAGAGTCACGGCTGT
TGACTCGGACGACTTTAGATGCAGCCCGCCAGCGGGAGAAACTGGAGGGAATCCGCCATA
CACAGGAACCTAGAAGGGCTACGTGACAGGGGCTGCCCCGAGCTCTCAGCCGCCGGCAC
TCCCAGCCAGTTTTCCCGCCAGTCTCAGTTCCTAGATCTTCCGAGGCTCCGCCCGCCG
CGAGCGGTGCGAAAGTTTTAAGGAGGGGGAAGTGTGCAAGCCTATCGATATCTTGGA
TAGACTGCGTACCCTGCGCCGCCGCCGTCAAACCTCCCGCAGACTTCTCTGTAGATCGCT
GAGCGATACTTTCGGCAGCACCTCCTTGATTCTCAGTTTTGCTGGAGGCCGCAACCAGGC

CCGCGCCGCCACCATGGTACGTTGAATCCCGATCTCTGGAAGGTTTAGGGCAGAGCTCTG
>EP74563 (+) Hs HPRT1 P1; range -499 to 100.

GAGGCAAAAATAGAGGCTCAGAGTCTGATTTGTACAAAACCTACAGAGCAGTTAAGTGTCC
TCTCAGATGTGTACCCTGATCTGGGTGACTCTAGGACTCTAGGTCTCAACTGTTACAACC
AGTTAAGGGTTTGGGAAGCACTGGGCCAAGAGTCAGGAAAATGGAAGCCACAGGTAGTG
CAAGGTCTTGGGAATGGGACGCTGGTCCAAGGATTCACGCGATGACTGGAACCCGAAGA
GCCGGGGCCCGTTTACGGCCGCCATGAAGCAACGCGCGCCGGTAGGTTTGGGAATCAGG
GAGCCCTCTGAATAGGAGACTGAGTTGGGAGGGAAAGGGGCTTCGCTGGGGGAGCCTCGG
CTTCTTCTGGGAGAAAATTCCACGGCTACCTAGTGAGCCTGCAAACCTGGTAGGCGCCGG
CGTAGGCGCGCGGGCGGGGCCGGGGCGGGGCTGCGGGGCGTGGCGGGCGGGCAGAGG
GCGGGGCTGCTTCTCCTCAGCTTCAGGCGGCTGCGACGAGCCCTCAGGCGAACCTCTCG
GCTTTCCGCGCGGGCGCCGCTCTTGCTGCGCCTCCGCTCCTCTCTGCTCCGCCACCG

>EP74564 (+) Hs HPRT1 P2+; range -499 to 100.

CTGTTACAACCAGTTAAGGGTTTGGGAAGCACTGGGCCAAGAGTCAGGAAAATGGAAGC
CACAGGTAGTGCAAGGTCTTGGGAATGGGACGCTCTGGTCCAAGGATTCACGCGATGACTG
GAACCCGAAGAGCCGGGGCCCGTTTACGGCCGCCATGAAGCAACGCGCGCCGGTAGGTT
TGGGAATCAGGGAGCCCTCTGAATAGGAGACTGAGTTGGGAGGGAAAGGGGCTTCGCTGG
GGGAGCCTCGGCTTCTTCTGGGAGAAAATTCCACGGCTACCTAGTGAGCCTGCAAACCTG
GTAGGCGCGCGGTAGGCGCGCGGGCGGGGCCGGGGCGGGGCTGCGGGGCGTGGCGGG
GCGGGCAGAGGGCGGGGCTGCTTCTCCTCAGCTTCAGGCGGCTGCGACGAGCCCTCAGG
CGAACCTCTCGGCTTTCCGCGCGGGCGCCGCTCTTGCTGCGCCTCCGCTCCTCTCTG
CTCCGCCACCGCTTCTCCTCTGAGCAGTCAGCCGCGCGCCGGCCGGCTCCGTTATG
GCGACCCGACGCCCTGGCGTCTGGTGAGCAGCTCGGCTGCCGGCCCTGGCCGGTTTACG
>EP74565 (+) Hs PROCR; range -499 to 100.

TGTAATTGTTATTTACTTAAAAATTCTGGTAAAATGTAGCCATTATACTGGAAAACCTAAAT
TTTAATCTTGGATCTGTCAACCATGATATATAAACTTTGGGCAAGTCCCTGCACCTCT
CTGGACCTCAATCTCCCCATCAGCAACCTGCTGATCCTACTCCAGGAGTGTGCTCTAAG
TTGAAAGTAGATGCCCCACCCCTGAGTCAGCGCCGGCAGGACTTCTACCAAGCCCTTC
TCCCCCTTTTCCGCTCCCTGTTCTGTTCTTAGGAAGCAGCCCAAGGAGAAGGGAAAAG
GCAGGTCTGGGCAGGAGGGAGCAATGAAGGGCGGGGCAGAGGGAGGGCAGGAGGGAGGCC
GGCCCCCTAGTAGGAAATGAGACACAGTAGAAATAACACTTTATAAGCCTCTTCTCCTC
CCATCTCTGGCCTCCTTCCATCCTCCTGCCCCAGACTCCGCCCTCCAGACGGTCTCT
CACTTCTCTTTTCCCTAGACTGCAGCCAGCGGAGCCCGCAGCCGGCCCGAGCCAGGAACC
CAGGTCCGGAGCCTCAACTTCAGGATGTTGACAACATTGCTGCCGATACTGCTGCTGTCT
>EP74567 (+) Hs POLD4; range -499 to 100.

AGTGGGGGTTGGGTGGGAGCCGGGAAGGGGCTGGATTAGCCCAAACCTCTCTTCAGACCT
CCAGACCTGCCCCACAAGGCGGGGCGGGCCAAAGGACCGAGTGAAGGCTCCAGCTGGAC
TCTAGGGAGTTACAACTGGCCACGGGGATTAGCGAAGCTGAAAAGAACATTTGCCTAGG
AAGGGAAAACGGGAAGTGAGAGGCTGAAGATAACTCTCCTGAAGTCTCTCGGGACCCACA
GCAGACCAATGGGGGCCGGGAAGGTGGTGAAGTCGGGGCATCCCAGAGGTCCCCCGCC
CCAGCCTGCCCTCCTCCCGCGGCCACAGCTGAGGCACCGCCCCGCCCCCTCACCCTACA
CTGCCCTACCATTGGCTAGCGCCAGGGCCCCGCCCCGATAGGCGGCCTGCCATTGGCTGA
AGTCTTTCTGTTTGCCTGCTTTTGGGGGTGGGGGAGGCGTCCCTCCCTGGACCCCGGCG
ACTTCTCTCTCGGTTTGTCTGGGTCTCTTGTCTGCCCGCCGCTGGCCTGGCCCCGTCT
GTCTCTCTCAGCAGCTGTCTTCTCGCGCCCACTGGCCGGTCTCTCTCTTCCCCGAGT
>EP74568 (+) Hs SNRPB2; range -499 to 100.

TCTGAGATTCAAGTTCATCAGCACAGTGTGGAGGACAGTTCCTGCAGAGCCCCATGAAT
CAGAGGAGACTCGGAGGCAGGAGGAACTGGCTATCCTAAAGGTGATTTTAAACCGGGGTA
GCTAGAGCCCCAAAGAAGGGTGAACAGGACTAAGTCCCATAGCATGAGGGGCAGCGC
CTGTAAAATTACATAGGATTTGTAAGGTGGAAGGCACTGTTGCGCCGGGTAAAGCTTCG
CAAGGTCTGTTAGGGGAAATGATTCACCTCCCTTCACTATTCCCTCGCAGCATGGTCTCT
CACAACCCCTTCTCTTTCCCATTTCCATTTCCGACTCTTCTCCTGCCCGCAGGGCAG
ACGCACGCGCAGAGAGATTGCCAGCCCTGGCTGCCAGAGACCCGGAAGCATCGATCGGCT
CTGTGCTCGGCTTCTAGACTTGTGCGCGCTCGATTGAGGAGCGTGGCTACGTTGCTTCCG
GTGCTGCTCGGCTTCTGCTTTTGGTTCTTACAGTAGTCGGCGTAGGCCTTAGGTGGG
TTCGTGCGCTTCTACCTCGTGTCTTGGTTTCTGGCTCCTCGGCCCTTTCTCCCCCT
>EP74569 (+) Hs LAMP2; range -499 to 100.

CAGGAACAGAAAACAAACACTGCATGTTCTACTCATAAGTGGGAGTTGAACAATGAGA
ACACATGGACACAGGGAGGGGAACAACACACACGGGGGCTGTCAAGGGGTGGGGGCCAA
GGGGAGGGAGAGCATTAGGAGAAATACCTAATGCATGTGGGGCTTAAACCTAGATGACG
GGTTGATAGGTGCAGTAAACCACCATGGCAGATGTATACCTATGTAACAAAGCTGCACAT
TCTGCACATGTATCCAGAACTTAAAGTAAATTAAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAG
AAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAG
AAAAGCCAGGGCGTGGTCCGCCGCGCATATCTCTCAGGAGCATAGGAAGGGCTGTGAACCA
TTCAAGCGCGGAGATTGGCTGAAGCAAGAAAGAGCCCCGCCCTAGTCTTATGACTCGC

ACTGAAGCGCCGATTCTGGCTTTTGAAGGCTGTGGTCGGTGGTCATCAGTGCTCTTGA
CCCAGGTCCAGCGAGCCTTTTCCCTGGTGTGACGCTGTTGTTGTACCGCCGCGTCGCC
>EP74570 (+) Hs TRA1; range -499 to 100.

GCGCCGCCACACGAGAAAGCTGGCCGGAAGTCTGTGCTGGAATCACTTCCAACGAAACC
CCAGGCATAGATGGGAAAGGGTGAAGAACACGTTGCCATGGCTACCGTTTCCCGGTCAC
GGAATAAACGCTCTCTAGGATCCGGAAGTAGTTCCGCCGCGACCTCTCTAAAAGGATGGA
TGTGTTCTCTGCTTACATTATTGGACGTTTTCCCTTAGAGGCCAAGGCCGCCAGGCAA
AGGGGCGGTCCACGTGTGAGGGGCGCGGAGCCATTTGATTGGAGAAAAGCTGCAAAC
CCTGACCAATCGGAAGGAGCCACGCTTCGGGCATCGGTACCGCACCTGGACAGCTCCGA
TTGGTGGACTTCGCCCCCCCCCTACGAATCCTCATTGGGTGCCGTGGGTGCGTGGTGGCG
CGCGATTGGTGGGTTTCATGTTTCCCGTCCCCCGCCGCGGAAGTGGGGGTGAAAAGCGG
CCCGACCTGCTTGCGGTGTAGTGGGCGGACCGCGCGGTGGAGGTGTGAGGATCCGAACC
CAGGGGTGGGGGTGGAGGCGGCTCTGCGATCGAAGGGGACTTGAGACTCACCGGCCGC
>EP74571 (+) Hs PRIM1; range -499 to 100.

CGCCTGTAGTCCCAGCTACTAGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAGGC
GGAGCTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCAACAGAGCGAGAC
TCTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAATACTGGTGTATTCTCTAAAACATCCAAAAAGTT
CACGTGGAGCATCCTTTTTACTTTCATCTTAATAACCTAAATCAATATGCTATAGGTCTCA
CATTTCCGGAGAAGATCCTCTTCTGGAATGGACGCGGCTTCTGCCACAAGAGCGGTG
GCCCTAGTGCCGAACGCGTGGGCGAGATCGCAAACCTGCTGCGTCTCCCGCAGCCCCGCG
CGCACCAAGTGGGAACACAATTCCCGCGGCCCCGCGGACTGCGGGCCGCGGGTCAG
ACAGCCGACCTCGGCCATAAGCGCTGCGCAGTGCAGGGCCGCGGCGCTGCTGTTCCC
GCCAATTCTGTGTAATCCTTACCGTGGCGAGTTCCGCGCTCAATGGAGACGTTTGACC
CCACCGAGCTGCCCGAGCTGCTTAACTTTATTACCGAGGCTCTTCCCTACTCTCAGT
>EP74572 (+) Hs PSMB3; range -499 to 100.

CATCATTAAATTTCCATTTAATGGGCGCCTCTATATACTAGGCACTGTTGTGGGCCAGT
GAATATTCGAGCCTAGGCAAGTGCCTGGTACACAGTAAACGCAGGATTTCTGGAGTGAA
TAAATAAGCTAGCACGACTAATACGACGAACTCATACATCACGTTGATAAGCGTCACGGT
GCCCCCTCAGCTGGGGCCGAGCTTCTTAAACCCAGTTTACCAGCCACGTGCGCGCAG
GCTCCGCCCCAGTCCCTGAGGTCCCGAGTCCAGGTCCGCCGAGATCCCACTATGCACCG
TGTCGCAAGTCTTCCGAGCCACAGTGACTTTTCACTTCCGCTTTTCCGCTCCGTT
TTGACTTTGCAACCAAACCTACCTGTACTGGTGACCGACAGGGACGTGTGACCAATAGAAA
GCCCAGATGTCCAGGAAGACTCCGCTATCAGCCAATGAAGAGACAGCAGTGAGAGCGGT
TGCGCAGTGAAGGCTAGACCCGGTTTACTGGAATTGCTCTGGCGATCGAGGGATCCTAGT
ACACCGCAATCATGGTGAGATGGGGAGTTAAAGCAAAGGGGCATGGGGAAGGATTGAGAA
>EP74573 (+) Hs DAD1; range -499 to 100.

GGTCTCACTGCGGATGAACCTGACTTGTCCAATGATCTGTGACAGACATCTGCAGACAG
CGCCCTTAACAGAATTAGGGTCAGGCTGGTATCAAACCCAGGAACGCCAGGCATTGCCT
CAAAGTAGATGCAAACCGTTAAATCTTCCAGGACTCAGAAGGACCAGAGAGCCGGATA
CCTCTGGTTAGTACGCGGTCCCGAGTAAAGCTTATTCCCTCTTCTCCAGTGTGTCT
TGTTGCCAGAGCAACTGTGGGCGTCACCGAGCTGACGGGCGGAAACAGAACAGAAAGAGT
ACACGTCCCCAGCTCATTGATAGGGCCATTGCGCAGACGCATTAACCTTTCTGAGTTGTA
GTTGAGTCTGTTGATGCACTCCGCTCTGCGCATTAGTTGTTACGCGCCTGGCCGGCCT
CAGCGCCTGCGCAAATTGGCACACCGGGGAGGGCGGAGTTAGGTACAGAGGTGCGCATG
CGCAAACAGCACATCCGGTGTGGTCGACGGGTCTCCAAGAGTTTGGGCGCGGACTGGA
GTACCTTGCGTGCAGTTATGTGCGGCTCGGTAGTGTCTGTCATTTGCGGTTCTTAGAAG
>EP74574 (+) Hs CCT6A P1; range -499 to 100.

CATCGCACCAGTCTTGCAGCTTTCTAAAGGTATCCAGCACTTTCTACCTTGCACTTCTATC
TTCACTTCGCTAGGCCTCACAGCCGATGATTCCGGGGGAGGGTGCTTATCAGACTC
GCGTGTGGCCCCACGGCACCTAGGGCACCTCGAGCACAGGTCCGGGAAGCTCCAATGA
AACGGAACAAACCGCGAGATCAGGGGAGGTAGGAGGCCACCTACGCCCTGCCCCCGCG
GAGCACAAGCCCCGCTGCGTCCCGAGTCCCGGGTCCGCAAAGCTGGGCCCCAAAGAGC
TCCAACGCCGGAACCAAGGAGCACGGAATGCCGGAACAAGCTCTCCCGTGCAGGATGA
CGACAAGGCCGAGGCGGAAGGGTGGGACCGCAGGAGCCGTGCAGCCGCGGACCAATGAG
CGGGCGCCGACGACCTGTGGCCAATGGCGGCGGCGCGGGCACGCTGGGGGCGGCGC
AGACGGGCCGACTTTTCCAGAAGACCCGGATAGTTCTCCCGGCCACGCCGCGCGGCTC
TGGGCACTCAGCATCGTTTCTTTCTCCGCTGGAGCAGCTATGGCGGCGGTGAAGACC
>EP74575 (+) Hs CCT6A P2+; range -499 to 100.

TCATCTTCGCTAGGCCTCACAGCACCGCATGATTCCGGGGGAGGGTGCTTATCAGACTCG
CGTGTGGCCCCACGGCACCTAGGGCACCGTTCGAGCACAGGTCCGGGAAGCTCCAATGAA
ACGGAACAAACCGCGAGATCAGGGGAGGTAGGAGGCCACCTACGCCCTGCCCCCGCGG
AGCACAAGCCCCGCTGCGTCCCGAGTCCCGGGTCCGCAAAGCTGGGCCCCAAAGAGCT
CCAACGCCGGAACCAAGGAGCACGGAATGCCGGAACAAGCTCTCCCGTGCAGGATGAC
GACAAGGCCGAGGCGGAAGGGTGGGACCGCAGGAGCCGTGCAGCCGCGGACCAATGAGC
GGGCGCCGGACGACCTGTGGCCAATGGCGGCGGCGCGGGCACGCTGGGGGCGGCCA

GACGGGCCGACTTTTCCAGAAGACCCGGATAGTTCCTCCCGGCCACGCCGCGCGGCTCT
GGGCACTCAGCATCGTTTTCTTTCTCCGCTGGAGCAGCTATGGCGGCGGTGAAGACCC
TGAACCCCAAGGCCGAGGTGCCCCGAGCGCAGGCGGCGCTGGCGGTCAACATCAGCGCAG
>EP74577 (+) Hs TYMS P1; range -499 to 100.

AGGCTGGTCTTGAACCTCTGACCTCAGGTGATCCACCCGCTCGGCCCCCAAAGTACTA
GGATTACAGGCGTGAGCCACCGCTCCAGCGCCTGGCGGTTTTTAATCAAGTAGAAAAG
CTGCATTATACCACTTGCTTCGGTTGCTTCAGTGAGAACGAAGAAATGGAAATGCAAATC
CCTTATTAGTTGTAGGAAACAGATCTCAAACAGCAGTTTTGTTGACAAGACCGCAGGAAA
ACGTGGGAACTGTGCTGCTGGCTTAGAGAAGGCGCGGTGACCAGACGGTTCCCAAAGGG
CGCAGTCCTTCCAGCCACCGCACCTGCATCCAGGTTCCCGGGTTTCTAAGACTCTCAG
CTGTGGCCCTGGGCTCCGTTCTGTGCCACACCCGTGGCTCCTGCGTTTCCCCCTGGCGCA
CGCTCTCTAGAGCGGGGGCCGCCGACCCCGCCGAGCAGGAAGAGGCGGAGCGCGGGAC
GGCCGCGGGAAAAGGCGCGCGGAAGGGGTCTGCCACCGCGCCACTTGGCCTGCCTCCGT
CCCGCCGCGCCACTTGGCTGCCTCCGTCCCGCCGCGCCACTTCGCTGCCTCCGTCCCC
>EP74578 (+) Hs TYMS P2+; range -499 to 100.

GGCGTGAGCCACCGCGTCCAGCGCCTGGCGGTTTTTAATCAAGTAGAAAAGCTGCATTA
TACCACTTGCTTCGGTTGCTTCAGTGAGAACGAAGAAATGGAAATGCAAATCCCTTATTA
GTTGTAGGAAAACAGATCTCAAACAGCAGTTTTGTTGACAAGACCGCAGGAAAACGTGGGA
ACTGTGCTGCTGGCTTAGAGAAGGCGCGGTGACCAGACGGTTCCCAAAGGGCGCAGTCC
TCCCAGCCACCGCACCTGCATCCAGGTTCCCGGGTTTCTAAGACTCTCAGCTGTGGCC
CTGGGCTCCGTTCTGTGCCACACCCGTGGCTCCTGCGTTTCCCCCTGGCGCACGCTCTCT
AGAGCGGGGGCCGCGCGACCCCGCCGAGCAGGAAGAGGCGGAGCGCGGGACGGCCGCGG
GAAAAGGCGCGCGGAAGGGGTCTGCCACCGCGCCACTTGGCCTGCCTCCGTCCCGCCGC
GCCACTTGGCCTGCCTCCGTCCCGCCGCGCCACTTCGCTGCCTCCGTCCCCCGCCCGCC
GCGCCATGCCTGTGGCCGGCTCGGAGCTGCCGCGCGGCCCTTGCCCCCGCCGACAGG
>EP74579 (+) Hs PEX11B; range -499 to 100.

ACTGTCAAGGTTCTGCAGGGAACGAAGATCTGGTACCAATCACGCTCCTTTTTCTTGA
CAGACCAGCCTGGGCTTACGGCTCTACTGACCTAGACCTCTTTAGCCCTACAGCCCTG
GATTAGTCGGGGCCTGCGTGCATGTGTATTTGTGAGGTTCTGCCAGGCGCACACCTATG
CCGGCGGCCTCCAAGACGTGGAGATCACTGCGGCGCTTTCTGCCCCGCCCGGCCCTG
CAGGCCCCGCCCTTGGTCATGAATATTTAAAGAAGAAGGTGCCGCTGGAGGCGTGCTAGG
GAGTAGGGGTGCTCTGATAAGGGGAAGCTGTGACGCAGACACGCAGTAATACACAGAT
GGAGGCTCAAAAGACACGAGTTTCGCGTCTGAAATTCGCTTCCAGGGCCAAGCTTTCT
TTTCTGATACTGTTTGTCTCCGCGAGGCAACGTTGGGTGCGCAGTAGGCGTGACTAGG
GGCGGGAAGTGGGGCGGGAGCAGGGCCGCGGAGCCTGGGCTGCGGCTGTGATGGACGCT
GGGTCCGCTTACGTGCTCAGAGCCAAGCCCGGAGCGGCTGTGTAGGTGCGGCCGAATA
>EP74580 (+) Hs GCHFR; range -499 to 100.

GGCCCCGTTGAAGCTGTGAGGCGTCTCTGAGAGGGTGGGCTGGGGCCTGGAGAGGCCT
CCGTGAGGACGCCGTTTGCTCTGGGCTCTGCCTGGCAGGGGACTTTGGAACCTGGCCTGA
AGTGTTCAAGAAGCGGGCGCGGGGGCAACACGCGCGGGGACGCAGTAAGATCACAGGC
TGCAAAGAAAACAGCACTAAGCGTCTGGAGGACGCTGGAGCTTCAGGATAGTGCTTTC
CAGGTCGTGGGACCGCCCCCTCTCCCCGCACTCCACCTTCCCGCAACTGGATCACTCGG
CGGAAGCCTCAGGTGGGCCCGGGGTCCAAGTCCGCCGCGGGAGGGCGGGGCGGGGCC
CGAACCGCCGACTGCAGGGCGCGTACGGCAGCCGCTCCTGATTGGCGGCCACGGCGGT
ACGGGCAAGGTGCCCCGGGATTGACGCCGCTGTGGCCAGAGCCGGAGTAACGGGACTCC
CAGCTGCGCGTCGCAGTCCCGACGCGAGAAGGGCTGGAGTCGGCGTCCAGCCTAGAGCCC
CCGGTGGGAGCCAGGCCGGGACGCGTGCACCATGCCCTACCTGCTCATCAGCACCCAGAT
>EP74581 (+) Hs GNG11; range -499 to 100.

AGCTATATCTAGCATATTTTTAAACTCTTTGAGAGGTGAAGGGTAGTTATTTCTGCTG
GGTAGTGTACTCTTTTCTAGCTTCAAAACAAACCCGGATGTGACTTGGAACGGAA
AAAAAAAAAGGAGCGGGGGTGC GCGGAGAACACAAAGTAAACTTCTGCTGTTCCAGTC
CTGCAGCCCCAGCCAGCGTCCCCGCGGGCGTGGCAGGTCTGAGTCAGGGCCTGTCC
GTGGCCAGCATCCCTGCTGGGCGATTGAGCAGCGGAAGCTGCTTGGACCCAGTCTCAA
CTTAACCCTCATCTAGCACCCGGGACGGCTCCTGGGTTGCAGGGACTTGAGAAAAGGCA
GAGTTCTCAGGTCTAGGAAGCTGGGGACGCTGGCGTGACAAGCGTCCCGGAGAAAGCC
AAGCCCTCGGGAGCTGGGGACCGCAGCAGGGCTGCAGTCACATCCTGCGCGGTGGGCG
GCGGGCCAGGCCTTCAGTTGTTTCGGGACGCGCCGAGCTTCGCCGCTCTCCAGCGGCTC
CGCTGCCAGAGCTAGCCCCAGCCGGTTCTGGGGCGAAAATGCCTGCCCTTCACATCGAA
>EP74582 (+) Hs S100B; range -499 to 100.

TACTGTCCACAGAACTTACGCCCAAGTGGGGCCAGACTTGGAGGATGGCAGAGGAGAGAA
GCTCCAGGGGCTCTCCATTAGAAACCAACTTGCAGGCCACTTAATCTCCTATGCTCAGC
CTGTACTTGGAAAGCTGCTTGTCTTGGCTGCACATTTGCTTTGTTGAATCAATTAATCC
AAGTCTCTCTCTCTCCCCACCCCAACCTTGCCCTTAGGGTGACATCAATATTCATGTA
ATAAAGAAATCGCAAAAAGCTGACTCCCCACTTCTGCCCTACAGGCCCTTTTTTCTT
CCTCAGCCCATGTGCAATCCTGGCTCCCAGCAAGTCCCCGGGGCTGCTTGGTCAATGCAG

CCCTGTGTGCAGGCCTGGCAGCCCTGCCACCCCCGCCTTCGGCTCCCATTGGCTGCCACG
GCCTGCAGTGGCTGCACCAAGGGTTCATCCATCCTCCCTGGGCAGAGGAATAAGAGGCT
GCCTCTGCCCACCAAGTCTGCCGCCAGGACCCGAGCAGAGACGACGCTGCAGCAAGG
AGACCAGGAAGGGGTGAGACAAGGAAGAGGTGAGAAAGAGCCAGGCCAAGAGGACGCTCA
>EP74583 (+) Hs TNFSF10; range -499 to 100.

ATTTCTATTTTCTTTATCCACTCCCACCTGCCCTCTTCCCACCCTCACAGTAGCATGA
GAAAAACCACATATGGAAGTTTCAGGTCATAAAAATTATCTTATAATTTAGAAAACAGGC
CTTGTGCCTATGACAGCCAGGCCATGAGGCTTAGAGCTCTGTGGTAGAATGAGGATATGT
TAGGGAAAAGCAAAGAAAATCCCTCCCCTCTTTGGCTGAGGACATTATCAAAGGAGAGC
AAGAAAGAGAAAGAGAGAAATGGGCTTGAGGTGAGTGCAGATAAGGGGTGCATGGATCCTG
AGGGCAAGGAGAGGAGCTTCTTTCAAGTTTCCCTCCTTTCCAACGACTACTTTGAGACAAG
AGCTGTCCCTGGGCAGTAGGAAAGGGGAGGGACAGTTGCAGGTTCAATAGATGTGGGTGG
GGCCAAGGCCACAGAACCAGAAAAACAACCTATTGCTTTTCAATTCCTCACTGACTATA
AAAGAATAGAGAAGGAAGGGCTTCAGTGACCGGCTGCCTGGCTGACTTACAGCAGTCAGA
CTCTGACAGGATCATGGCTATGATGGAGGTCCAGGGGGGACCCAGCCTGGGACAGACCTG
>EP74584 (+) Hs CKS2; range -499 to 100.

CTACTTTTCAAAGTGGACCTAGGCTCCTGGCTCGAGCCTGAGGGGATACAAGGGATCACG
AGGAGCGCCATCACCGTGCAAGGTGACAGCTTCCGCTCAAAGCCCTGTGGCCACGCTT
CCGGCCTCGACCGACTACGTATCACCAAACCCCGTGATACCTCACTCCACCTTCAGGTC
CTCCGTCCCAACGGTTCGGTCTGGAACCTTCCACGTTCTGCGCACGCGCTCTGCGG
CCCTTAACGTCCCGACTTCGCCCTCCTCTGGCCACGCCCTGCCCGTTAAGGGCCCTGCC
ACCCCGTGACGTACCTATCTTCCCTCGGGCAACCTCGCAACAGATCTCTGATTGGCTGA
CCCAGGAAGCGGACTTTGCGAGGCGGCGGCGACGATAGGCTGGCAGCCGGCCGACTTCCG
CAGAAGGTGATTGGTGGCGCTGCTGTCCAATCGGCGGCGGGCTGTGCGATTCAAATCCG
GATCGTTGGGACTGCGGTCGTTAGTCTCCGGCGAGTTGTTGCCTGGGCTGGACGTGGTTT
TGCTGCTGCGCCGCTCTTCGCGCTCTCGTTTCATTTTCTGCAGCGGCCAGCAGGATG
>EP74585 (+) Hs NDUFA5; range -499 to 100.

ACTCCATAGGGCTTTGGTTCGTAAGACACAGAGAATACTGATATCCTTGTGCGAAGAACT
AACTTGCTGTTGAGAGATCAATTCAGAGGATGCTCAAGCTCCGTTATCACTTTTCAATTTA
CTAAACTGAGAAAGGAAGGTTGAGGAATGCATCAACGGTTAAGCACAGTGCAGGTTCTTA
CAGCGACTGGAGTTTTTGGTAGTTGGGAGTGTTCCTCAATCTTTGGGCAAGCCGTC
GCAGTGGCAGGAACAGGAACAGACAGCTGGGAAACCTTTCTTTCCCAATCGTCTTCTA
GCTTAGCTTTAGGCTTGTATGCTTATGCTTATGCTGCGCATGCGTCAATTTTCTTTAAGATGG
CGGGGCAGAGTCTTTGCTCCTTTGGCGATCCTGAAGGGGTGGAGCTAAGCTGTTTCCAGG
GTGACAGAGTGGCGACCTCGGTGGTTCGATTGAGCAGGTCTGAGAATTGTTCCAAAGGGT
TGTGCGTCACCGAGTCTTGGCGCTGTCTATGGCGGTGTGCTGAAGAAGGTGAGACGAAT
GGAGGTCACTGTTGGAATTTAGACTGTGGGGGTAGACTCAGTCCGATAGCCCTACTTCCC
>EP74586 (+) Hs SFRS8; range -499 to 100.

GGTGGGCGGGTGGGGACCAAGTCCCCCTAGGGATGGAGAAGGAAACGGGGCCAAGGAAA
AGGACATCGCCACCCTGGGCAGAGCACGCACGGCCCCAGCGACTCGGACATGGTGAGGGG
CGCGGAGGCTCGGGGTGGACCGAGGCCTCCACACATGTGGCAGGCTGCAGCAACCCGCC
ACCCACGAGGACTCGCCCAAGGCCAGAGCGCGCGGGGCCCTCCCTCCGACTCCGTGCG
CGCCCGACTGGCCGAGCGGAAGCCGGCGCGGATCCCACGCTGCGCTTTCGCCACGTCC
TGACGGCTGCCCCGATAAACGGACATTAATAATGCACTTTCCTGAATACAGCAGCGCC
TATTGTGGCGGCACACCTGAATGCGAAAATTAAAGCCAAATATTTCTAGCGGCTAAAA
GAGCTCCAAGCTAGGCGAATCTGCCGTTCCGCTCGCCGGAATGCGGGCTCTCCTGCCG
GAAGCTGCCCCCTCCACATTTTGTGGCCGCTATGGCGGCGGTGTTGAGGTTGGGTACGG
GATGCGGGGTCTTTGACTGAAGGGGTAGGCCAAGTGGAGGTATCAGGGACGTGCGCGGC
>EP74587 (+) Hs TTID; range -499 to 100.

TCCTACTCTCATTAGGCAAAAGAAAAGACTTCAGATGAAGAATTATGCAATACAAATC
AATTGGGAGCCCATCTATCACTGGTCTTATTCTGGAGAAGTCTTAGTATAATAGATAGA
AGAACTCCACTCTTGAAATATTATTTTCCCTTTAGTCTCTCTCTTAACTGGGAAAATT
CAAAGTCCCCACCATAATAAGAAAATAAGAGGGTTTTTTTTCTATTTTCCCATTTCCT
ATTCCTGCCCCTCCCTCACATGAGCTTGCTAAAGTTCATAGTCAAAATTCACGTCTGAA
ATAAAGAGGCTTGCAAAAGAGCTCATGTAATCCCACTCTTAAATACCACTAAGACACG
TGAGATATTGTTAGATTGTGACTCTTACTTTGACATGCCAGCATAGGTAGATGGACAG
GCAAGCACATCAGATGTCACTGTTTGGCAGCTGATAAAAGTCAGTGGTGCTATAATACTA
AGCACAGAGCCACTAGATTAGTCTGTGAGGGAAGGAGATGCCTCTTCTTCCCTTCAATA
GTGGGTAAACCCAGCTGGCACCTCTGGAACACGGGTAAAGTCCCTTCTTTATTCCTAC
>EP74588 (+) Hs NFYB; range -499 to 100.

GCGCTCCAGGAGGCCCCCGCGTTCAGACCCTCCCGTGGCTCGGGCGCGTCGTCTAGG
GGGCGGCTTCTGTCTTGGTTTCCCCTTCTTAAAAATCCAGGCGCAGGACAGGCTGAGCTC
AGGCGGCTGAGGCACCTCCACGTGGCGGGGAAGGGGTGACAAAGAGAGGGACGCCCCGAG
AGATCCCCTTCGCACAGGCCCGGTACGACCCGGAAGGAGGCCCGCCTAGACCCGAAC
GGCGCGCCCCGGCAGGGCCCTGGAAGACCTCGCGCTAGAGGAGCGGCATCCGGAGCGGC

>EP74589 (+) Hs CLNS1A; range -499 to 100.

>EP74590 (+) Hs WDR1; range -499 to 100.

>EP74591 (+) Hs B3GNT6; range -499 to 100.

>EP74592 (+) Hs FADD; range -499 to 100.

>EP74593 (+) Hs SNRPD1; range -499 to 100.

>EP74594 (+) Hs CTSL2; range -499 to 100.

AATACCACACAGAGCTCGCTGTAAACCACCCGCTCAGCGCAGTAAGTCGGGATAGTCAGT

AGATCTGAGCCCTTGAGGGAGGCGCCTCCCCCTCCTCCGCGCAGCCCCGGGCGCCCGGC
CCAGCTTCCCGCAGCCAGGGTGATTGAGGTAGGCGCGCCAGACCTGAGACGGTTGGG
ACTGGGCTGCGTCACGCGCGGGCTCTAAGCGCCGGGGCCCCGCCAGTGCCCGGCACAG
CCAATCGCAGCGCGGAAGGCGGTGGGGCGGGGAAGGCCGCTGGAACTTAAATCCCG
AGGCGGGCGAACCTGCACCAGACCGCGGACGTCTGTAATCTCAGAGGCTTGTGTGCTGAG
GGTGCCTGCGCAGCTGCGACGGCTGCTGGTGAGCGCCCCGACCAGACCGAGGGACAGGG
>EP74595 (+) Hs SORD; range -499 to 100.

GCAGGGCCGGCGCGGTGGCTACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCGGAGGCGGGT
GGATCACGAGGTCAGGATATCGAGACCATCCTGGCTAACACGGTGAAACCCCGTCTCTAC
TAAACAAAATACGTGGTGGTGGGCGCCTGTAGTCCCAGCTATTGGGAGGCTGAGGCAG
GAGAATGGCTTGAACCCGGGAGGCGAGGCTTGCACTGAGCCGGGATCGCACCACTGTACT
CCAGCCTCGGCGACAAACAAACAAACAAACAAAAAACAGCGCGCTGCGAGATGGAGCCA
GCACCCGGGCTTCTCGCTCCAGCCCCCTCCCGAAGCCCCGCCCGCTCCGGGTCTGGA
GGAGGCTGGGAAGCCCCGCCCTCCACGCTAGCGCGGCCAGGCTGGCACAAGGAGGAA
GCCTAGTCCCGCCCCTGCGTGCGGCGCTTCTCCAGGCCCACTTCCATCCAGTGCCCT
GGACCCTCGGCTGGGTAGCGCCACCAGAGCGACCAACGTCCCGCGCTTCCAGGCCGCA
CTCCAGAGCCAAAGAGCTCCATGGCGGGCGCGGCAAGCCCAACACCTTCCCTGGTG
>EP74596 (+) Hs ATP5G2; range -499 to 100.

TGTGTTTGTGTTTGTGGTATGTTTATTTTGGGCTCTCATTAGTGTTTGTGGCTCCTT
TACAGAACTGGCCAGCCAGCACTTGACAACCTCACACTAGGGTGAAGGCTTTCGAATTCT
TGGCCCCAGGGTGTACTCCTTAGCACCATAAGGGTCTTCTTTAGCATACAGCCTCAATAG
ATAAGGTCTGCATAGTAAATAGGGCAGTGAGAAAGAATAATTTATATTATTAGGAATGTC
CTAAGGGAATGTAGTTATCTACAAAGGAAAGGTAGGTTATCACTGAAGATCCCTGTTT
CATAGATAAGGAAATACAGGGATTAGAAGATATAAAGGTGTTGTCCTGGATAATGAGTGG
GCGGGGAATGTATGTCAAGAGGTACTGACAGCAGATATCTGCCTCTTAAAGAGGGTCTGT
ATGTACCATCCAATTTTATGTCTTCTGATCATGCCCTCTCCCTGACCCCCCACTGTATG
TTTAAACAGGAGAGTCTGTCTGTCTTCTGCACTGGGAGCAGCTCTCCTGCCATAGCC
CCTCACCCCGTAAAAATGTATGCCTGCTCCAAATTCATCTCCACTCCCTCCTTGGTCAAG
>EP74597 (+) Hs ARF6; range -499 to 100.

AAGCGAACAGAGCTTCCCTGGGACGTTTCAAGGAGCGCGGAGGGTGCGGGAAGGCTGGGGC
GGGCGGAGGGAATTCGAGAGCATCTGGCGGGCACCGAGGTCTGGGAACAGGCCTGGAGG
CAGCTCGGTTCTGGAGAGAGCGGGCTGCCGTGGGCCCCACCTGTAGGGCCCCCAGT
AGATCTGCTCCCTTGGTTGGGTGGGCGAGGGGAGGGCAGAGCGCAAAAGAGAAAGCAGG
GAAGGAGACGCTAGAGAGCCACGGGTAGGCGCGAGTCAGAGTCCGAGGTTTCGAGGGCTC
TGGGCCCGCCGATCTGCGAGCCCTCCGAGGCGCGTAGCCCCGCCCTCCGGCGCGTGG
CGCCCATGACGTAGGCGCGCGGGCCGCTCTCCTTACAGAGGTCGCTCTTGTCCGAACGG
TCGGCCTCTGCTGCGCCTGCGTGGTGGGAGGGGAAGTGAGGCGGTTTCTCGGCGCCTT
TTCCGGCAGCGCGCGGCGGAGAACTGGGAGGAGGAGTTGGAGGCCGGAGGGAGCCCGCGC
TCGGGGCGGCGGCTGGAGGTAACCCCTTGGGCCGAGCTGGAAGGCGGGCCACCTCGGTC
>EP74598 (+) Hs PSMB4; range -499 to 100.

ACAAAAAATTAGCCAGGCGTGGTGCCAGGCGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTAA
GGCACGAGAATCGCTTGAATCTGGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCACT
GCATTCAGCCTGGGGGCCAGAGCGAGACTCCGTCTCAAAAAAATAAAAAATAAAATAAA
AAATTGTGAGTCTCACTCAGGATCAGCGTCTTAAAGTGCCACCTCCCCACCCACCTT
CATGCCTCCCTCCTCTTGAATCGTGTGTTAGAACGCTGTGATCTGGTCCAACTCCACG
GAGATGCGATGCGATGCGAAGCGATGTTGGGCAATTTCAACTCCCTGTCTCGGTGCCAC
CTAGGATTACTGCATGTTAGCTACGACCTCATCAACATGGCTGCTGGAAGTCGTCTACA
GGAAAAAGAAAGAAATGACACTGAAGGATCACTTCCGCTTCCGTTGGCGCAAGCGCTTTC
ATTTTTCTGCTACCGTGACTAAGATGGAAGCGTTTTTGGGGTCGCGGTCCGGACTTTGG
GCGGGGGGTCCGGCCCCAGGACAGTTTTACCGATTCCGTCACCTCCCGATTCTTCATG
>EP74599 (+) Hs CD79B; range -499 to 100.

GATGCCTGACCTGGGTCTGTGGCTGCCCTGTCCTTCTTCACTGCTCCTCTTCCCGCTGGG
TGAGGAATAGTTCAGGACAGAGGAGCTAAGTTCAGGTTCAATCATAGGACAGGTGCCTAT
TTCGCTCACGGCCAGGAATAGAGACTTGGCGGGCTCGGCCCTCGGGGAGTTGGCAGAC
GGCAGAGGGGAGGCTGGCTGGCCAGGGGATGACCACCGGTGGGGTAAGCACAGACAGAG
GGGAGCACAGGCTTCCCCAGAAGACTGAGAGGCCCCCCAGAGGCATCCACAGAGGACCC
CAGCTGTGCTGCCAAGCTGGGCGACCGCCAAACCTTAGCGGCCCAGCTGACAAAAGCCT
GCCCTCCCCAGGGTCCCCGAGAGCTGGTGCCTCCCTGGGTCCCAATTTGCATGGCAG
GAAGGGGCTGTTGAGGAAGAGGCGGGGAGGGGACAGGCTGCAGCCGGTGCAGTTACACG
TTTTCTCCTCAAGGAGCCTCGGACGTTGTACGCGGTTTGGGGTCGGGGACAGAGCGGTGAC
CATGGCCAGGCTGGCGTTGTCTCTGTGCCAGCCACTGGATGGTGGCGTTGCTGTCTGCT
>EP74600 (+) Hs STMN2; range -499 to 100.

TAGAACCAAGGACAGAGCCAAAGGTGAAAGAAAATATGAAAAAGTGAAAAACACAGTATTT
AAACAGAATTTTCCAACAGCCTGCATATAGTGAGGACTTCTCAAGCTTCTGAATCCTTTT
CCATTGAATTGTGCAATGGCACATGTATGAGCAAAAGTCAAGCCTCCTGGCTCCAGGTAG

GCACAGCCCAGTTCCTTAGCTCCTAGGAAGCTTCAGGGCTTAAAGCTCCACTCTACTTGGA
CTGTACTATCAGGCCCCAAAATGGGGGGAGCCGACAGGGAAGGACTGATTTCCATTTC
AACTGCATTCTGGTACTTTGTACTCCAGCACCATTGGCCGATCAATATTTAATGCTTGGA
GATTCTGACTCTGCGGGAGTCATGTCAGGGGACCTTGGGAGCAATCTGCTTGAGCTTCT
GAGTGATAATTATTCATGGGCTCCTGCCTCTTGCTCTTTCTCTAGCACGGTCCCCTCTG
CAGACTCAGTGCCTTATTCAGTCTTCTCTCTCGCTCTCTCCGCTGCTGTAGCCGGACCCT
TTGCCCTTCGCCACTGCTCAGCGTCTGCACATCCCTACAATGGCTAAAACAGCAATGGGTA
>EP74601 (+) Hs PGRMC1; range -499 to 100.

AAGAATGAGTTTCTGTCTCCTAAGACAGCTTGGAGGGCCCGGAACGGCAGGGGGAAGA
TGAGGGGCTTACAATGGGAGGCAGGGAAAAGCCTGCAGCAACAGAAAGGGAGTCGGTGT
CTGGCGCGCATCAGGTGGCGGAGGGGCGCTCGCACAGAGCCCGCAATGCCGAGGGCCCTC
CCAACGGGTCTGCTGCGAGGAGCAAAAAAGGGGTTCAGAGGAGGGCAGCGCTGCTCG
CGCTCAGCTATAGGATGGCGCGAGGATGGCGTGAGGCTGGGCTGGGGCTCCAGGTAGA
ACTGAGGGGGGACCGCGCGGCGCGGGGGAGCGGCGCCGGACTCTAGAGGCTTTGGAGG
GGGCTGAGGGCTGCGGGGCGGGACCGAGCAGGGCGGGGCGCTTAGGTGGCTCGGGGA
GGCGGGGCTTGAGGCTCCGCCCTCAGGCCCGCTCTCCCCGGCTAGTCTTTGGCCG
CCGCCGAACCCGCGCGCCACTCGCTCGCTCAGAGGGAGGAGAAAGTGGCGAGTTCGGGA
TCCTGCTAGCGCGGCCCAACCTTTACTCCAGAGATCATGGCTGCCGAGGATGTGGTGG
>EP74602 (+) Hs ADRM1; range -499 to 100.

CCCGCTGGGTCCCCAAGCGCTGAACCATGGTCACTTCTATGCGTAGCCCTGGTGCCC
GCCGCCACAGCCGACCGCACTCTCGGCCTCCGCCTAACCCCTGGCTCAGCCACACGA
GTGACAGCTCTGCCCGCCGGGCGGGCGACGCCGAGGGGTGGGCTCGGCCCCACTGAGC
AGTTCCCCAGCGCCCTCTGAAACCCGCTGTGGTCCCTGGCGCCGCTCTAGGGGCCGC
CGCCGCTCCCTATGACACAGCAACAATAGGGGCCGCTCTGGTCCAAGCGCCCTGCGGCC
CGCGCTTCCGCCGAAAAGAGCCGCGCGGGGCGGACCGGGAGGAGCGAGTGCGA
TGACGGTTCGCCCTCGCCAATCGTTGGCAGGTTAGAGCCGGCTGCGCGCTTACGGGGCT
CAATCGGCGGCGAGAGCGGCAGGCGGGGCGGGCCGAACGCGGGTTCCGGCGGGGCCGG
CAGGCGCCGAGGAGGAAGAGCGAGCCCGGACGGCGCCTCTGAACGAGTGTGGGCGCGAG
GCAGGTGCGGGAGTTCGCCGGCTGGGGCGGCCGGGGCGACCGGAGGCGGGGCGAGGGG
>EP74603 (+) Hs ATP6V1G1; range -499 to 100.

CACACAGGTTAGCGGCAGACTTGATCCCGAGTCTCCTAACTGGCAACCCAAGACTCTATC
CCCGAACTGGCAAGAATCTTCTGAACTACCCCGATAAAATTTTGTAGTGCCAAAGAAAG
TCCCGAAAAGGAGTAGTAGAGCAGTGTGGAGAGTAGGAGGAAAGTGAATTTGACTTGGC
CCCTCCTCTCTTGACGTTGAGCATCTGCAAACAGACACTATACGTGGCAGGGCGGCTAC
AGAGTGAACAGCGACAGGGTAGCCATTAAGAGAGGCCAGGGAGCGGACAGAGGAGTAGA
GGGCACTACTGCGCAGTAGACTGCACAGGCGCAGTCGAGGAGTCCGCTCCTTTCTCCTC
AGCCCCGCCCGCCCCATTTCTGCCGAATCACAGAAGTTCAAGAGCGGTGAGTGTGCT
ACGCTGTGCGGTACGTGACAACGGGGGCGAAGCGCAGGCGCAAGGAGCAAGCGCAGATT
GTGGGCGGCTGTGTGAGTACCCAAGGGGCTTCGAGGTGCCTTAGGCCGCTTGCCTTG
CTCTCAGAATCGCTGCCGCCATGGCTAGTCAGTCTCAGGGGATTGAGCAGCTGCTGCAGG
>EP74604 (+) Hs HLA-DPA1; range -499 to 100.

AGAAATTATAACACTTCTGCAGAAATGATTAAATAAAAAGGAGGTATCTCAGGGAGGTGG
ACCTGAAAGAAAGATTAATTATATATTTTATTAGATAGCACATTCTTAATTATCAG
CAGAATATTTTGTAAATATTGACAACATAACATAAAACATGATTTAAATATAGTGAC
CAAAAAACATCAAAGATCATCTGACTGTCTGGGATGGGGGTGGGGCTCGGGAGAAGGAAC
ATAATGGAACATTTGCCGTGAGAAGAAGGTGTAACCTATCTTTTACATCTCTTTCTC
TAACTCTGAAATGAACTGTAACCTGGAGCTCTCTTGACCACGCTGGTACCTAAAATTCT
CCCATCTCTTCCCAGCACCTTCCAGCGTCCTCTTTACCCAGCAACAGAGAATGTCAGCT
CTATGATTTCTCTGATAGGTGAATCCAGCCATGCTGATTCCTCTCCACCCATTTCCAGT
GCTAGAGGCCACAGATTTTCACTCTCATCTGCCTCCACTCGGCCTCAGTTCCTCATCACTG
TTCCTGTGCTCAGATCATCAATTATAGACCCCAACATGCGCCCTGAAGACAGAATGT
>EP74605 (+) Hs PMSCL1 P1; range -499 to 100.

GCGAACATTCTCCATTCTCATCACTTCTCAGATCCACAAAGATTTACCTTTGGCCACA
AAAACATCCCATTTACCAATTTATCTTTCTCCCCAACCTTATGCCGCTCATTCAG
TGTTTGTTTCAATTAATCTGCTCAAATCCTGCATCTGCGGCTTTCCAGGGACCAATGTCA
ACTCATCTGTGAAATTGAGAAGTACATGTCTAGTCTCCACCCCGTGAGAGGACTGAGCA
AAGGGTGAAGTGTGCGAGCGGTCTACTGATAATAATTTCTATCACTCTCATGGTTATTTT
AAGTATCCTTTTCTCTCTGCACTTTATGAGAAAAGAAACGGAACCTCACGTTCAAGAAC
GGCCTCCCAAAGCCGCAATGGCTTCTCGCAGCTCGCTGGCCTTCCCCAATCACGCTTTGA
GTCTGCGCAGTAGCTGCAGCCCAAGCCATTTCCCATTTTCCGCCGCCGCGCCTTGATGA
CGTAATTTTCTGCGCCTCGGGGCGAGCAGCGGCGCGCAAGGAAAGATCGGGTTCGGTTT
TTCCCGCGGATTCTGGTGCCTGTGGGGCCGGTGACCCAACCATGAAGGAAACGCCACT
>EP74606 (+) Hs PMSCL1 P2+; range -499 to 100.

GGCCACAAAACATCCCATTTACCAATTTATCTTTCTCCCCAACCTTATGCCGCTC
ATTCCAGTGTGTTCATTTAATCTGCTCCAAATCCTGCATCTGCGGCTTTCCAGGGACC

AATGTCAACTCATCTGTGAAATTGCAGAAGTACATGTCTAGTCTCCACCCCGTGAGAGGA
CTGAGCAAAGGGTGAAGTGTGCGAGCGGTCTACTGATAATAATTTCTATCACTCTCATGG
TTATTTTAAAGTATCCTTTTCTCCTCTGCACTTTATGAGAAAAGAAACGGAAC TTCACGTT
CAGAAACGGCCTCCCAAAGCCGAATGGCTTCTCGCAGCTCGTGCGCTTCCCAATCAC
GCTTTGAGTCTGCGCAGTAGCTGCAGCCCAAGCCATTTCCCATTTTTCCGCCGCCGCC
TTGATGACGTAATTTTCTGCGCTCGGGGCGAGCAGCGCGCGCAAGGAAAGATCGGGT
TCCGTTTTTCCGCCGATTCTGGTGCCTGTGGGGCCGGTGACCCAACACCATGAAGGAAA
CGCCACTCTCAAAGTGCGAACGCCGCTTCTACTCCGTGCCATCGAAGAGAAGAAGGTAT
>EP74608 (+) Hs MRPL24; range -499 to 100.

TTAGATCATTTCTGTTTCTTCCAGATCTGACATTTTGTAACTAGATCGGCTACTAGCAT
TGGAAGGGGCCACGTTTCATCCCTTCTCTAGAAAGCCTACCGGCAGTTTTTGAATCTGC
CCTGCCCCCACTCCAGCAGAGAAGGACAGGGAGAGCATTGGCGGTAGCCCTGTCTGGAAA
GGGCGGCCCTTTGCCTTGAACAGGAAGCCACAACCACCTAGAAAATGGAGCCTTCTTCTC
TAGAAACTACAATTTCCAGCGGCCTCCACGCAGAGCATGCGCGGGAATGTGCCAGGCGGG
CCAGCCGAACAGCTTGCCTTTCGATTCCCGACATGCTTCATGGTGTGTTCCGGTTTCTC
TGATTTCTACCCCCGCAAACTTCTGTTTCCAGCTTTCTAGCGGCGGACTACAACCTCC
CAGCATGTGAGAGGTAAAGTTCGTGGTTGAGCTTCCGTTTTACACTTGGACTACAACCTC
CCAGAAAGTCGACGGGCGAGTGGCGGGGAGGGGACGCTGAGGGCCCATGTGCTGAAAATCC
GAAGTGCCGCGGAAAGTGAGGTGAGGGCCGCCGCCCTAGAGGTGCCGTCCGAGAGGC
>EP74609 (+) Hs EIF4B; range -499 to 100.

TATATCCCTCTACAATCATCTGTTTTCTTGGGGGGGGAATCTTTAATTGGCTTACAT
GCAACCTGTTAAATAAGAGCACATAAACGTGTTTTATGGTGGCTATGCCACTCTTGCA
TCACAAATCACTTTACCCTCCCTGCCTGTATTAAGCATCACATGCCATGGGCCATTGCT
GTTACTTCGTAGATTTGACTTTTCAAGGCTCACATCCCAGCGGCCGCTTCTACTCTCCTG
GGTGCTTATGCCTATAATTTAGATTAGCTGCCCCAGCAGAATCAATGTTGTCTGGGTGAT
GAACCTTATGGTTGGATTAGCCAATCTTCTCTATAAAGCCTCCATAGCTGGATCCACTATCA
GCATAACTAATATTTGTTATCCATTTAGTGTACAACATTGAACTTGAAACAGCCAAGGGT
AAATAGTAACTAAAGTTAACATGCCATTATACATGCAATTTACAACCTAGAGGAGTACTT
AAAGAAATACAAGGAAAAGCTTTCCCTCTGCCAATAGCGGCCCTCAGCAAAAAGAAGA
ATAAGAAGGGGAAGACTATCTCCCTAACAGACTTTCTGGCTGAGGATGGGGGTACTGGTG
>EP74610 (+) Hs PMF1; range -499 to 100.

TGGGATTGGGTTTGACTGAAATATGTTTTGGTGGGGATGGGACGGTGGACTTCCATTCTC
CCTAAACTGGAGTTTTTGGTCGTAATCAAACTAAAAGAAACCTCTGGGAGACTGGAAAC
CTGATTGGAGCACTGAGGAACAAGGAATGAAAAGGCAGACTCTCTGAACGTTTGATGAA
ATGGACTCTTGTGAAAATTAACAGTGAATATTTCACTGTTGCACTGTACGAAGTCTCTGAA
ATGTAATTAAGTTTTTATTGAGCCCCGAGCTTTGGCTTGCGCGTATTTTTCCGGTCG
CGGACATCCCACCGCGCAGAGCTCGCCTCCCCGCTGCCCTCAGCCTCCGATGACTTCCC
CGCCCCCGCCCTGCTCGGTGACAGACGTTCTACTGCTTCCAATCGGAGGCACCCTTCGCG
GGAGCGGCCAATCGGGAGCTCCGGCAGGCGGGGAGGCCGGGCCAGTTAGATTTGGAGGTT
CAACTTCAACATGGCCGAAGCAAGTAGCGCAATCTAGGCAGCGGCTGTGAGGAAAAAAG
GCATGAGGGGTCGTCTTCGGAATCTGTGCCACCCGGCACTACCATTTGAGGGTGAAGCT
>EP74611 (+) Hs CDK4; range -499 to 100.

TGCGTCCAGCTGCTCCGGACCGAGCTCGGGTGTATGGGGCCGTAGGAACCGGCTCCGGGG
CCCCGATAACGGGCCGCCCCACAGCACCCGGGCTGGCGTGAGGTAAGTGCACTCCCTT
CCCAGGAATGAGAACCAGTGCCCGCCCCCTCACAGCTTTCCACGCGTTTCGTTTCGCGAG
CTGGTTATGGAAGGGTCGCTCAAGGGCGGGGAAGTGGGGCCTTTGTGGTCATGGGAAAGTA
TAATTTTAGGGACTGAGGTGTAGGATCTTCGATGCAAGGCATGTGTATGTGTGATCTTT
GTGCGGGGCGGATTGTCCCAAAGGAAAAAGCGTTTTCTATTGCAGGGCCTCACGTGGCT
GGAGGGGTTGGTATTGAGTCATTGTGTTATCTCTGGGGCCGGCCCCAAGGAAGACTGGGA
CGGGGGATGGGATGCTGGTGGTGTCTTTGCGCTTTTTTTTGGGAGTCCCTTTGTGTC
TGCAGGCTCATACCATCTAACTCTGTAAGCGACTTTTGGTGATAGGAGTCTGTGATTGT
AGGGTCTCCCTTGATCTGAGAATGGCTACCTCTCGATATGAGCCAGTGGCTGAAATTGGT
>EP74612 (+) Hs PMAIP1; range -499 to 100.

TACTGCCATACTCTTCAAGTTGAAAAGTTTCTTTTCCAATCTCTTTTCTGGGCTTGT
TTACCCAAGTCTCTAATTGCCAAGGCCTCTGGTCTCTCCCCACCCACAACGTTCTCCTG
GTTAAACCTTCCCTCCCGCACTCCAGCTCCCGCACTCCAGCTCCCGCCACCACT
GCCGCTGACGACGTCCAGCGTTTGCAGATGGTCAAAGCCGACCCCTTCTCCTCCACCT
CGTTTTGTAAAGGAAGTAATTTCCGGGGCCGAGCGCTCTGCGCCCCCGCCGCGGTCGCGC
CCGCCGCGGGTCCGGAGCGTGTCCGGGCAGGTGCGGCTCAGCGGGGTACTTCCCCGCCCG
CGTCCCGCGTCCGCTCCCATAAACGCCGTCTGCGGGGCGGGGACAGGGGCGGGGACAGGGG
CGGGCCGGGCGTCTAGTTTCCCTACGTACCCAGGGAAGTTCTACTGGACAAAAGCGTGG
TCTCTGGCGCGGGGATCTCAGAGTTTCCCGGGCACTACCGTGTGTAGTTGGCATCTCCG
CGCGTCCGGACACCCGATCCAGCATCCCTGCCTGCAGGACTGTTCTGTGTTACAGCTCGCG
>EP74613 (+) Hs CPSF5; range -499 to 100.

TCCCTAGACCTCTGCGTGGCGGCCCTCCCTGAGAGCACCCGGTTACCGTGACTGAACGG

CGTCTGCGGCTCCAGGCCTCAGCCACCTGCTTTTTCAAGGTTTCTTCCGTAACAGCGTC
CGAAAACTCCGCCATCACCTCCTTTTCCCTTTTTTCCACCCGGGCTGGGCCGGGCTC
CGTGCGCGCTTCCCATTCATCTCTTCCCAAGGCACAGAACCACGCCACGCAGATCAAGA
CGTACCTTCTGAGGGTACTGCAACTCCCGGCATGTCCCTTTATCGTGTTTCCCGGCC
CTACCCAATGGGAAGCACCAAGTAAGAGAAGGCGGAACCTATACCGGTTTACCAATGG
GAGCTCCAGCTATTGCAGCCATCCACAGCAATTGGCCCACTGGAGCTCGGTCTGGCAG
GCCACCGCCCTCTACTTCTGCCGCCAGAGGCTCCGGGTTCACTTCCGGCGTGCCTACG
CCTCTCTTGCGCTGTCTGTTAATGGCGGGCAGTAGCCGCTGAGGGGATTGCAGATAAC
CGTTCCCGCACGGGAAAGTCTACCCTGCCTGCCACTTTCTGCTCGCCGTCAGCGCCGG
>EP74614 (+) Hs TSNA; range -499 to 100.

AAAGCTCCTGGCGTCACTGCCAGGAATGGAAAGTTAAAAAACTCCCAGCTCTGTAAGGTT
CTGCCTGGATCCTGAAAAAACCTTCCACATGCCCGAGGAACTCGAGGGCTCGCTTC
TTTCTCACATCCCTGGCCCGGGGACCGGAGGTCCCGCTCCGGCGGAGGAACTACAACCC
CCACAGCACCGCGCGCAAGCTGGGCCCCCTGAGGGAAGGTAAGGTGTCCGAAGGTG
CCTTCAGAAAAAATTACGTACGTTTTTCGTCGCTTTCCACGATCACACAGATCTCAGG
TCCAGGAGGACGCATCGTCTTTTAGTAACAGTGCATGCTGTGAGGCTTGTAGAGTCGCC
TCTCTCTTCAAGCGCAGCAGAGGGCGGCCAATAGTACGCTCGCGCGCGGTGGCGGGT
GGTGGTCCTTGACCAACGCGTGGGCGGAGCCAGCGGCGACGGCCTCCCTCCCTCCGG
ACGCAGGCCGGAAGTACGTGAGAGGAGACTTCCGGCCACTGCGTTGTAGTCGGCCCGGCT
GCAAAGCGTTTTTCTGCAGGCTGTTTTCCAGGTTCCCTCGGCCTGTACCTCGCGCACTC
>EP74615 (+) Hs PRCC; range -499 to 100.

TTTTATTCTAATTCCCAGTCCAGCCGACTGGGAAGCTTACCAGTTCATTTACAGATCA
CTTTGCCTTTAAGCAATTTTCTCAATCCGCCAGCTTCCAGACTCCCTTTCGTTCCCGA
CATCACTTGCACTTTCTAAGAGCATCATATCTCCAGAAATCTTAGTGCCCAAGGGGCTA
CCCTAGGGAACCTCAAGTACCGAAATGCTCTCCTGTCCGTCTCAGTGAAGTGCCTGGTGA
CCGGTGGGGCTTGTAGTACCTCGGAATTGTAGGCGACAAAAAACTACTCACCCAG
GTGTCCCTGCGTCAGAGGCGGGTTTCTCTCCTGTCTCCCTTTGCTCGCCCTAAATCCTT
CCTCGGACTCCAACCTCCCGCCGTGCCTTGCCTGAGATCCCTGCGGCAAGAACCAGGCT
GTGTCCAAAGTGTCTCTGGAAGTTGTAGTTCTGTATTGGTGAGGCAAGGAGGAGCGG
AGTGACTCGGCGGCCATTAGCTGTGTGTAGTTGCCCGGGACTAGGAGCTTAAGTGAAGAG
GTACGCCTTGTTCGGTGGAAATCAGCCGTAGCCATGAGTTTCTGCCGGGGCTAGCCCTAG
>EP74616 (+) Hs COIL; range -499 to 100.

TGCAAGGACATTTTTTGTGGTGGGTATTAAGGCTAAGGTATTTATATTCCACTG
GATACATTTGGAAGAATGATTACAGTGTTATTTCAAATTTCAACATTGAGAACACACT
AGGACTTACATCTTTTTCAACTCATCATGATGAAAAATTTTGTAGCGAAATGTGTTAGG
ATTGTTTTATAAAAAATCTTTCACGTCGATGAGCAATATCTTAGAAGACTACTGCTGAGG
AGAAATGTTATTTATCCAGAGAGTTGCCTTAATTAGGAGACCTACATAGCGCCAGTAG
AAATGTAATAAAGGCATTTCACTTATTCCTTCTCAGCCCTGCCGTGAACAAAATTGAA
TGAAATCAACCACGCTCCGAGTTCTCGCTAGACGCAGCCTGTAGTAGCCAGGTTTACC
ACTAGGTGGCACACGCCAAAGGCTCCGGCGGGGGCGAGCCGCCGAGCACGCCTCTCGGT
GGCCCCGTGGTATCTCTCGGCTTCCGTTGAGCACCAAGCAAGATGGCAGCTTCCGAGACG
GTTAGGCTACGGCTTCAATTTGATTACCCGCCGCGCAGCTACCCCGCACTGTACGGCCTT
>EP74617 (+) Hs PSMB10; range -499 to 100.

GATGGCACCTGAGATGGAAGATGGAAGACCAGGGTCCCTGTGACTGAGGACTGAGCCTC
TGTTTGAGGTTTTTGAGAGGAGTAAAGGCAACAAAGAGGCAAGAGTTGGAAGAAAGGT
GACAAGGAACAAAAGTCAGCTATGCCTGATGCTACTGGGTGGCCAGCAACATGCTGACT
TGGCCAAGGCTCTGAGAGCTTTACTATGCTGGGACTGGAGGTGAGAGTTGAGGCTAGGGT
AAGAGCAAGGGGCTCAGATGGAGGGGGAGGAGGACCTGAACAAGTCCAGAAGGGAAGAGA
TTTGTCCTCTATCCAACAGAGTACCCAGTGAGCAGCACAGAGGGCACAGCAAGGGACAT
CACCCGGTTCCCAAAATGCTCAGAGCCACAAGTGAAGCCAAAAGTGAAAGACAAGATGCA
GAAAACCGCCACGGGCCTTTGAGGAAGGGTAAAGGCGAAAGCGAAAGCAGGAAGTACAGA
CGTGAAGCCTAGCAGAGGACTTTTTAGCTGCTCACTGGCCCCGCTTGTCTGGCCGACTCA
TCCGCCCCGACCCCTAATCCCTCTGCCTGCCCAAGATGCTGAAGCCAGCCCTGGAGC
>EP74618 (+) Hs NFKB1B; range -499 to 100.

CTACCCGGATCCCCGACTCACGGTCTGGCTCTGCCATGGGCGCGGTGCTGAAGCCCTTGA
GGCTGTACCCGACCGCTCTGTCCCGTACCAACCACTGTGTCCCGTACCCGACTGCTCTG
TCCTGTACCCGACTGCTCTGTCCCGTACCGGCACAGAAATGGGAGTGGCCGTGATAGGG
CACAGAATACAACCTCTCAGCAGACATTGCGGCCGAGACGCGCTTTCGTACAACACCCA
GAGCGCCCCAGTTAGGTAAGAAAGCGCGCGAGGACCGGACTACGAGTCCCAGAAGGCGTG
GCGTCAGCAGCCATGTTGGTAAAGGGCGCCCGGAAAATGTGGGAACGGCTAGAGAGTTGT
AGTCTCCCGAATACTCTGATTGGTCAGGATGCAGTACGAGGGCGGGGTGTGAGCGATTTC
AGCATATTATCATTGGGTGAATCAGGGGGCGTGGTGGGAATTTCCCGCAGGGCGGAAGC
TCCAGAATCCCGGCAAAGCCAGCTACAGGCGGGCGACTGCGGGGGGCCCTGAGGCGG
CGGGGGCCATGGCTGGGGTTCGCTGCTTGGGAAAAGCTGCCGACGCAGATGAATGGTGCG
>EP74619 (+) Hs PSMD3 P1; range -499 to 100.

TTCTTCTACTCTCCAGTTTCGGTTTATTTTAAAGGCCAACAGCCCTAGCTTCACGTCCCTC
CTTCACAGCCTTCTTTCTTCCCTCCTGCCGATGCGCCCGGCAGCCGTTGAGCACAAGC
CCAGCGGATCTGGAAGGAGACCCCGCCGCGACCGGGGAAAATTGAGCGAACTGGGCGCA
AAACCCGCGCGCAACTCGTGACGTATCTCGTCCGCGCTCGGATAGGCTGTACCCACT
CCACGCTGGTTGAGGCGCTCTTAAAGTCCTTTGTAACCCAGATTGGAGCCTGAGGGGACC
TCTCGTGAGCGCCACAGAAATGCACTCGAGAGGAACATAAAAGCATCACACTTAAGCGC
TCGAAAGAAAGCCACGAACCCATAAAGGCTCCTCCCGCTCCTTCCCTCGAAGCTCCTC
CTTCATCCTGCACCTCGGCTGTGGATTTATTTCCCTTTGTTGACTCGGCCATCGGCCTG
CCGGGCTGCGGTTTCCAGAAAGGCCAGCGCCGGGAAGGGGTTTGCAGCTGCTCCGTCA
TCGTGCGGCCGACGCTATCTCGCGCTCGTGTGCAGGCCCGGCTCGGCTCCTGGTCCCCG
>EP74620 (+) Hs PSMD3 P2+; range -499 to 100.

ACGTCCCTCCTTCACAGCCTTCTTTCTTCCCTCCTGCCGATGCGCCCGGCAGCCGTTG
AGCACAAGCCCAGCGGATCTGGAAGGAGACCCCGCCGCGACCGGGGAAAATTGAGCGAAC
TTGGGCGCAAAACCCGCGCGCAACTCGTGACGTATCTCGTCCGCGCTCGGATAGGCT
GTACCCACTCCACGCTGGTTGAGGCGCTCTTAAAGTCCTTTGTAACCCAGATTGGAGCCT
GAGGGGACCTCTCGTGAGCGCCACAGAAATGCACTCGAGAGGAACATAAAAGCATCACA
CTTAAGCGCTCGAAAGAAAGCCACGAACCCATAAAGGCTCCTCCCGCTCCTTCCCTCG
AAGCTCCTCCTTCATCCTGCACCTCGGCTGTGGATTTATTTCCCTTTGTTGACTCGGCC
ATCGGCCTGCCGGGCTGCGGTTTCCAGAAAGGCCAGCGCCGGGAAGGGGTTTGCAGCT
GCTCCGTATCGTGCGGCCGACGCTATCTCGCGCTCGTGTGCAGGCCCGGCTCGGCTCC
TGGTCCCGGTGCGAGGGTTAACGCGAGGCCCGGCTCGGTCCCGGACTAGGCCGTGA
>EP74621 (+) Hs ATF5; range -499 to 100.

TGACTCATGCTGGACTCTAACCCACGAGGGTTTCTCAGAGTCAGCAGCTGGGGGATGAAG
AAGTGAAAAGTACTGGCAGGAAATTCTGCAAGCAAGGAAAGGAAAGAGAAATGAACTG
GTGCAAGTCTGCGGGAAGAGAATGAGGCTGGATCCTCAAAATCACAGGAGGAAGCAGGCC
CAGACCTCAGAGGCAGAAAGAGAAAGAAACCAGAGCTTAGAGTCAGGAGGAGGAAACCAG
ACCCCGGAGCCACAAGGAGAGGGCTGGATCCCCGGCTCAGAGGGAAGAGGTCGGATCCCC
AGCTGAGAGGGAGGAGGGTCCCGGACCCCTAGGAGTGGGAAGGAAAGGCTCGGATCCCTG
ATCCCCAGGAGGAGGGGACCCGGCTGCCTCCCGGTTGGGGCCGCGGAGGGCGGGGCGCG
GAAGGATCCGGGAGGGGCGTGCTCCGCCACCCAGTATATATCTGTCCCAAGTCCCGGGG
CCGCTCATTTCCCTGTCTCGGATCACAGTCTTCTCACTACAGTGTGCGCGCCTGTGC
CTGCGTAGCCCCGGCCATGGCTCTGTAGCTCGACCCCTTGTGCCCCCGGCCGTCTCC
>EP74622 (+) Hs PDHB; range -499 to 100.

GTAGGTGCTTAATGCAATCAATGAAAGCTATGATGTGCATTATAAGGAATCAACAGACAG
CACTGTCCAGGGAAGACTAGACTCACTCATGAAGTGTTAAGTTCCCCATCAGTAGAGCGT
GTGCAAGCACTTCTTGGTGCCCAAAGGATTCCAGCACCCACAACAGGTTGGCCTAACTCT
TAAGGTCTCTCCAGCTTCCAGAGATCATGCTCCTCAGGGTCTGACTTCTAGTCCCCACGC
TTCAAGTAACACCGACCGAGGCAGTGTGCCAGCGTGCACCCCGCCTGTGGTCAACGCC
TACTGTCAATAAAGTTGATTTGAGGCGGCTCCAGGCAGAGGGGCACGGCCACCCACACGC
CACCTCAGCCCCGCCCCGCGGCCCTCACCCGGTGGGCGGGTGGGCGGGTCAACGAGCCG
GCGCGCCTTGCCATTGGCCCCGCGCGGTGGAGGCGGGGCTGCTCACGTCTGCCGGCCCC
TCTGTTGTGCTTTGGCAGCGGATAGAGGACACGACCAAGATGGCGGCGGTGTCTGGCTTG
GTGCGGAGACCCCTTGGGAGGTAGGCAGCAGCGCGCGGCTGTATTTCCACGCGACCCC
>EP74623 (+) Hs XRCC1; range -499 to 100.

CTTAGGAGGCTGAAGTGGGAGGATCCCTTGGCCCCAGGAGACAGGGGTTGCAGAAAGCCG
AGATCGTGCCACTGCACTCCATCCTGGGTGAGAGAGCAAGACCTGTCTCAACAAAAAAT
TTTTAAAAAATAAAATAAATAATACAGCAAAAAGATTTGCTTTCTCGGCTTCAGTGT
GGGCGGTAACCTCATCGTGAATGAGAAAGCGAATTTCTTCCAGACCAATCCCGGAG
GTCGCTTCTGTTGCTAGGCTCCAGAAAGCAGGGTTCCGACGTATTGGGAGGCGAGGCT
AGAGCGGGGTTGTGTGTGGCGGAGGGAGGGCGGGCTGGAGGAAACGCTCGTTGCTAAGGA
ACGCAGCGCTCTTCCGCTCTGGAGAGGCGCGACTGGGCTTGCGCAGTGTGACGCCGGC
GCCGGCGCGCGGGGTTTGAAGGCCGAGCCTCGCGCGCTTGCGCACTTTAGCCAGCGC
AGGGCGCACCCCGCTCCCTCCCACTCTCCCTGCCCTCGGACCCATACTCTACCTCATC
CTTCTGGCCAGGCGAAGCCACGACGTTGACATGCCGGAGATCCGCTCCGCCATGTCTGT
>EP74624 (+) Hs NUP62; range -499 to 100.

TCCCCGCTCAGCAGGTGCCTGGTTTAAAGGAAGGAAGCTGGGCTGTGAGCCAGAGCAA
CGTGGGGCAGGGAGGGTGGAGGAGGGTAGAGGGGGCACGCGGAGAACGGCTACCCGAACG
CCACCCGTCCACACGCGGCTCTGCGCCGAGGGCAAGGCGCATGCTACGTGCGCCGAGCG
GTCCAATTGCCTTTACACCTCCGCCCTCTTGGGGATCAATGCGCATGTGCGGCCATTGAG
GGTCCGCACTCTTTCACTACGGGGCACTGGTGGGCTACTGCGCAGGAACAACCAAGCAC
GAAGAATCGTTAGAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ACGCGGGCTGACAAACATCGAGTCTAGAACTCTCCACCCGGCCCCGGGCCAGTGCGCA
TGCGCAGCCGCGCGCTTCGCGCCACCGTACTACTTCTGCGCCTGCGCGACCGTGATTCC
CCGCTCGCGACTCCCCACCCCGAGGGTCCCTAAAGAGGGCCACGAGCTGCGAAAGGGC
GGGAAAGGCAGTTGGAGAAGAGGTAAGCGGTTACTCACTCCATGGCTGCAGCAAGGAGAG

>EP74625 (+) Hs MRPS12; range -499 to 100.

AGTCCCCCTTGCAGAGCTCCAGGGCGTGTGCGGCCTCTTCTGGGCATGCGCAGAACC
TCTATGTCCAGCTGAGGGAGTGCGCTGTAGCCCTCGCGCGCATACTCGTACAGGAGGTT
CGGTTTCTGTTTCTGTAGTAACTTCTCCTTGGACTATCGTTGGAGATGCAGCCTCCC
CGGGGCCGGAACCCCCGACGAGTCAGCAAAGGCCACAAGCGCCGCGCCATGGACGCAGCC
ATCTTGGACCGGAACAAGCGGCACCTTCGTCCCGCCACTCCGCGTTTAGACCAATTGC
AAGGCAGCGAACCTGACCGTGACGAGCCAATCAGATCCTGAGGAAAGTTGACCGCGATAG
AGTCTTCGTGCGCCAATCGTGTCTGTGTCCGCTCTTCAGTGACGCGAGGCAGAACCC
AGCCAATCCCTGCACGGATAGCGCCGGAAGAGGCTAGAAGCTGGATTACGCGTGTCCGC
GACCTCACCTTTAGGTCTGTGAGGTGCGTGGAATCCTGGGGTCTCCAAATCTACCAGG
CCATCTCCCCAGTTTCCCAGTTCTTCTGCGTGCGGGCGAGAGTGTTGGGCCCTCGGGA

>EP74628 (+) Hs LDHC; range -499 to 100.

GACGGGGTTTCGCCATGTTGGCCAGGCTGTTCTCAAACCTCTGACCTCAGGTGATCCACC
TGCTTCGACTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCGCGTCCGGCCATGAGT
TATAAATATTAACAATTTCTTGCTGTAAATTGAAAGCATCCTTCGCGTCTTTGCGTTTCA
TTACCACCCTCTGTTCTCTCAAGAGAAATCTAACTTTATTTAGCACTCAGTCTGAAG
TTACAGAAGTTAATAATTTTTTAAATCCTGCAAAACAATGCATGGATATCCCCGTTTGC
ACACTCTTTGGGCCAGTCTAGAATTTCTCCATCAGCATTTCGGTGATCTGGACCGCCGC
CACCCACACTGCGCTCCAGGGCAGAAAAGACGCCCCATGCCCCGCGCTGGGCCGGCGGGG
GGCGGAGCTTGCCTGCTGACGCATAAGAGCCGAGCGGGGGAACGTGCGTGTCTCGAGTCG
CACGGAGGGCAACCGTCGACGGGCTTAGCGCCTCACTGTCGTTGGTGTATTTTCTGGT
GTCACTTCTGTGCTTCTTCAAAGGTGGTGTCTTGTCCCTGTGGGTGATCTGTACTGAT

>EP74629 (+) Hs PFKF; range -499 to 100.

CTCGCGCCCACTCACGGTCTCCCTCGCCCCCGGGAGATGCTCCCGCGTTCTATCCCG
CCCCGCCCTGGCGCGCCCCGCAAACGATGTGACCCCGGCCCCCTGCGGTCTCCCTCTCTC
CGGACGCTGCCCTGCCCCACTGTGGCGTCCCGTCATCTCTAGAGCCCCCAACCAGAG
TCTTCCAGCCCCACCGCGAGGCTCGCGCACCTGCGATGCGGCCCACTAGCAGGGACCCG
CCCACCTGTGGCGCTACCCCTGCCTCTGCCGCTCCCGCACCGCTAGCGCGGCCCCACC
TACGACGACCCCCGCGTAGATGCTCCTGCCACACCGCCCCAGCCCCGGCCCCCTGCCCC
TAGCCGCGCCCCGCGCCCCCTCCCCCGCAGCCCCCTCCCATACGCTCGGGCCCCGCCCCGTA
CCGCCCATTTGGCGCTGGGGCCGGGCGGGGCGCGGGCGGGGCGGGGTTCCGAGTCAGGC
GCGCGCGGGCAGGGTCCCCATTGCCTGCTGCGCACCCGGACGTGCGGCTCCCCCTCGGCT
CCTCGCATGGACGCGGACGACTCCCGGGCCCCCAAGGGCTCCTTGCGGAAGTTCCTGGA

>EP74630 (+) Hs VAPA; range -499 to 100.

ACCCTCAAACAGCCGTTACTACAGTTCACAGCAAGCACCGCGCAGGGCCGCAAAGGGCCA
GGCCCTCGGCGAAGGCCCGCCCCGAGGGGGCATGCCGGGAGTTGTAGTGAGTGGGCGC
TTCCCTACTACTTGTCCCTTCCACTGGGCATTCCCACTTGGAAGAGTGTGATGCGCT
GCCAGAGCAGTTTCTTAGTTCGTAAGTCAAGGTGACAGAGGACTGCGCTTCC
AGCCCTGCGTGCATCGCTCGGTCCCGCGGACCTTTGCCCCGCTCCTTCCACACCC
GTTCCCTTGACAGCTGGGTGCGCTCCGGGCCGCGGCAAGCCGCGAGCGCGCAGGCGCAG
CAGCCCCGCGCGCGCTAGGCCGGCCTGGAGGGCGGGACAAGCGCTAGAAGCTCCCGGCC
GGGGGCGCGCAGTAGGACGCGAGAGGCCGTACGTTGGGTGCGCGAGGCTCGCAAGTGCG
CGTGGCCGTGGCGGCTGGTGTGGGGTTGAGTCAGTTGTGGGACCCGGAGCTGCTGACCCA
GCGGGTGGCCACCGAACCAGTGACACAGCGGCAGGCGTTAGGGCTCGGGAGCCGCGAGC

>EP14077 (+) Hs factor VIII; range -499 to 100.

CCATTGGAGGATTCTGAGAAGAGGAGTGACAGGACTCGCTTTATAGTTTTAAATTATAAC
TATAAATTATAGTTTTTAAACAATAGTTGCCTAACCTCATGTTATATGTAAACTACAG
TTTTAAAACTATAAATTCCTCATACTGGCAGCAGTGTGAGGGGCAAGGGCAAAAGCAGA
GAGACTAACAGTTGCTGGTACTCTTGTAGTGAAGTGAATTTCTAGAATCTTCGACAA
CATCCAGAATTTCTTGTGCTGCTGCCACTCAGGAAGAGGGTTGGAGTAGGCTAGGAATAG
GAGCACAATTAAGACTCCTGTTCACTTTGACTTCTCCATCCCTCTCCTTCTCTTAA
AGGTTCTGATTAAAGCAGACTTATGCCCTACTGCTCTCAGAAGTGAATGGGTAAAGTTT
AGCAGCTCCCTTTTGTACTTCACTTCTCTGTGGCTGCTTCCCACTGATAAAAAGGA
AGCAATCCTATCGGTTACTGCTTAGTGCTGAGCACATCCAGTGGGTAAAGTTCCTTAAAA
TGCTCTGCAAAGAAATTGGGACTTTTCATTAAATCAGAAATTTTACTTTTTTCCCTCTCT

>EP15055 (+) Hs ubiquitin B; range -499 to 100.

GACCCCCCTCTTCTCCCGCGGAAATACCTCTTTTACGACGGCGCGCTGTGCGGCG
CACGCGCGCTCAGTTACTTAGCAACCTCGCGCTAAGCCACCCAGGTGGAGCCAGCAA
CAACAGAGCCACCGCTCCCCACCAATCAGCGCCGACCTCGCCTTCGAGGCCTAACCA
ATCAGTGCCGGCGCTGCAAGGAAGTTTCCAGAGCTTTCGAGGAAGGTTTCTTCAACTCAA
ATTCATCCGCTGATAATTTTCTTATTTTCTTAAAGAAGGAAGAGAAGCGCATAGAGG
AGAAGGGAAATAATTTTTTAGGAGCCTTTCTTACGGCTATGAGGAATTTGGGGCTCAGTT
GAAAAGCCTAACTGCCTCTCGGGAGGTTGGGCGCGCGAACTACTTTACGCGGCGCACG
GAGACGGCGTCTACGTGAGGGGTGATAAGTGACGCAACACTCGTTGCATAAATTTGCGCT
CCGCCAGCCCGAGCATTTAGGGGCGGTTGGCTTTGTTGGGTGAGCTTGTGTTGTCCCT

GTGGGTGGACGTGGTTGGTGATTGGCAGGATCCTGGTATCCGCTAACAGGTACTGGCCCCG
>EP30062 (+) Hs nucleolar Ag p120; range -499 to 100.

AGTGCGCGTCTCCTTCGAATTGCCCCCTACTCGCCGCCGCCGGCTCCGCTGGCGTTCCCG
AGGGCGAGCGTAAGTTCGGGTGCGGCGGCCGACTAGGCGCAACAGGAAGAGCGGGGCC
GCGAGGCTAGCGCTACCCGTGCGCTGCGTGGAACGATTCTGTGGCGAGTGCCGGCCGAA
AGCTAGGTCCGATTGCACGTGGAGGGCCGCCGAAGGGCACTCTCGGACATTAACCCGC
ATTCTGGTGGGTCTAGAGGAAATTGGGGGACGAAGAGTGGCAGCACTGACCTGGTCTGGG
ACGTGGGGAGAAAGGTGCGCTACCTGGGTTTCAGGTGGGAGGGCGTTCGGTCGGGCCTCC
AGGGGGATAGCGGGGGTGCTTGAGTCGCGGGTGCTGAGTCGGGAGTGCTGAGTGAGTTGC
GGGTGCTGAGTTGAGGCTGTGCCCTTTCCCACTATAATACGCCAAGCGTGCGTTCTGCCG
TTCCCTCCGACACGCGCGACGCCACCTTCTCCCATTTCTGCCTGCCACAGTACCATGGGG
CGCAAGTTGGACCCTACGAAGGAGAAGCGGGGCCAGGCCGAAAGGCCCGGAAGCAGAAG
>EP26024 (+) Ma PrP; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
GCAATTTCTTGCTCCTAGATTTCAGCAATTGCTTCTCGCTCCATTAGGCAACCTTTCA
TTTTCTCACCTTCCCCATTATGTAACGGGAGCAATGGGTTCTGGACCAGTCTTCCATTAA
AGATGATTTTTATAGTCGGTGAGCGCCGTGAGGGAGTGATGACACCTGGGGGCGGTTTAA
ACCGTACAATCCCTTAAACAGTCTGGAGCGGTGACTCATTTCGCCAGGGAGAAGTGCGG
CGGCCATTGGTGAGCACGACGCAAGCCCCGCCCAACCCAGCCCGGCCCGCCCTGCTACC
CCTCTGACTCACTGCCCCGCCGCTCCCCCGCGGCTCCGAGCAGCAGACCGAGAAGGC
ACATCGAGTCCACTCGTCGCTCGGTGGCAGGTAAGCGGCTTCTGAAGCCTGGCCCCGGG
>EP23001 (+) Mm PSP; range -499 to 100.

TGAGTCAGTGAAAGAGTGAGGAATGTCATTATTGGCCCCCTACAGAGGCTGGCTCACTCC
AGCAGAGGTGGTTGAAGCTCTTGACACGGGTGAGGTGCATAGGAAGGTGGTCTGGGAC
ACCTGAGAACCACAATTGAACAAACAGAAGCTGCTGGCTTTTTTTTTTTAAATGAGTTC
TCAAAAAATGACTGGGCTAGCTTAGGCAAATACTCGAGCCAACCAACAGAACATTCTT
CCATTGATTCTTCTGGATCTTCTTTCTAGACAATACTGAACTGACCCCTTGTGGCAGT
CTCAAGTTTGACAACATAGGGCTTTGAACTTGGCACAAGGTCCATCACTGTCACCCAAGC
ATCCTGGGTGACCTTTGGGTTGGAATATCTTGCTAACCTTAGATATTTCTTTGGAGTA
TCTTTAGAACATCCAGGAAATAGGGCTTGATTCTCATCTGGGACCACAATATAAGTCAC
CCTAGAATCCCAGGAGATCGTGACAGAAACAAGGATCTCTCTGCTGTCATCCTTCTTC
AAAGCAGTGAGTAGTACTCACTAACTGAGTTCCCATCTGAGAGTCCACAGGAGGCTT
>EP14078 (+) Rn sem-v. gene F; range -499 to 100.

CTCTGTCAGTGAGATCCTCTAAGGGTTGTTCAAAGTCCTTTCTTTGGTGCTTCTTATAGC
ACCATCTCTCCCTGTGCTCTTCCGCCCTATGCTCGCTCCTTTCAAATAGAACTCTGC
GCCTGAAGGCTGTTCTGAGAACACAAGCTCAAGGTTGTGACTGATTTCAAGTATGCCGTC
TTGAAAGGGATACCGTGCTAGAGAATGAAGTCTGATCAACCCTGAAGACTTCTGCAACC
CGAAGTCTCTTCCCACTCTGAACTGACATATGTTCAAGGAGTAGAGACGTCACCGTTGG
ATGTTCTCAAGGTAAAAAGGAAGATTTCCAAGAATGCTCTAGTGTTGTGCTTGGAGAG
GACCAGGGAACAGTACCAAGACTCCTACTGAGCAGAGAGAAGGAGCCTGACATTTACCGA
TAAGAAAGGTCAATTTGCCTTCCAACCTGTAGGCAAGGCCAGACAAGGAAATATATAAAGG
AGAACCTCAGATCAGCTCTCAGTCAAGACCCTTCTGACAAGATGAGTCCCACCGGGTTC
TTCCTCCTTACGGTGCTCCTTGTCTGGTGACAGAAGCAGCCTCGAGGGGGCCCCGTGGT
>EP14079 (-) Rn SVS IV; range -499 to 100.

TTTGGATTTCTTGACTTCATTCTATGTCTTTCTATCCCTGTGCCACTTGTGAGGTACAAC
ATATTTGTTTATTTGAAGGCATTAGAAGCGTTCTAGGATGTATCTGAAAGTTACATGATT
TATCTGAGGAAGTATTTTTGTAGTGATAAAGTGCAGAGAGAGACATACACTTATGCTG
TGGGAAGCGTGATCACAGCATGATTACTTTATAACATGAGGGGACAGTCTTCTTCAGGCT
CAACTGAATGTCTTTCAGAAATGCTGGAAACTGCAAAGTGATCTCAAGTGTTGATAAAGA
TTGGCTGCGGGTTGGAGGTATAAAGAAGGCCTCTGATACGATGTACTTTGTAGAATTCC
AAGAGATAATGACAATACCCCTGCATAGCCAGGGGAAAAACCAGCATTTACAGATAA
GTAAGGTGGGTTGTGCTTGTATAAAGTCCAGGGACACCTACTCGGGAAATATATAAAGTA
AGAACTCAGCTCAGCCTTCAGTCAAGAGCTTTCTGGCAAGATGAAGTCTACCAGCTTGT
TCCTCTGTTCTCTGCTCCTCTCTAGTGACAGGAGCCATTGGGAGAAAAACTAAGGGTG
>EP39001 (+) Hs ARF1; range -499 to 100.

ACCTTCCGCCGTGGCCCCGCGAGTGCCACAGGTTTCCACAGGGCCGGGCGACGTGGACCC
GCGCAGCCTGGGAGCCAGGAACCCCAACCCCGGCGAGGGGCGCCTCGCACCCCGTCTC
ACGCGAGTCCCGAGGCCTCCCGGTGACTGCCGGGTGTGGGAGGAGGAAGGTGGCAACCAG
CCCCGAGCTCCAGTTGCTGCAGGAGCCCCCGGGCCTCAGTCTCCAAATACGCCAAACG
GGCGGGAGTGAGCCACAGGCTGTCTTCGCGGAAGACTCACAGGCGCAGGCGCAGACGGGT
GCGCGCCCTAGGGTGCGCGCAGCTAAGACCGCGGCCCGGGGCGAGGTGTCCCCGGCCC
CGCCCCCTGCAGCCCTACCGGAGCCAGCGCCTGCGTCGCGGGCGCACGGTGGGCGGAG
TTCCCCGGCGTCTCCGCCCTTACCCGGCGTGCCCCGCGCCCGGAGGCGCTGACGTGGCCG

CCGTCAGAGCCGCCATCTTGTGGGAGCAAAACCAACGCCTGGCTCGGAGCAGCAGCCTCT
GAGGTGAGGGCGAGGGGCGCGGGCCGGTGTGGGCCGAGAGACGTTGGAGCCGGCGGGGG
>EP41009 (+) Hs ARF 3; range -499 to 100.

CACAGTAATCTAGTCTCAGGAATAGTGAGCAACAACAATGGTGCAGGTGAGGGCTTTTCAGG
GGATGGCAGCTAGCCCAGATTAAGAAATAAAGATGAAGTCTGGCTGGGTAAGGCATGCCA
CAGCAACGACTGTTACCCATATCCCGATGCTGGCTTTGCCAAGGAGCCCTGGGCCCC
GCAGCCCAGCCGCTCTCTACGCAGCCAACTTGCCGCCTCAGTCCTTAAATTCAGGCAC
AACCTTGAGCTTGGGATTGTACCTCAGTCTCACTGTCTCATCCCCATTACAGGCTCC
CGCTCCGCCGCCACAGCCCCACACCTGCCCCGCCCTGACTCCAGCTCCAGCGCCCG
GCCGCCGGTGTGTCAGCCGCTGCCATGGTATGGGTCTCGCGAGAAGTCCCGCTAGCTAC
CGCGCAGCTATCGCGCGATCGGGGAGGTGGGAAGTATCCCGGGCTGGGGGTGGGGGTACG
CCGCACAGCTCCAGTCGCCGTCGCGGCTTCCGGTGCTAGGTGGAGGGAAGGAAGGAGGGA
GCCGGGGAGTGGGCCAGGGCAGCAGCCGGGCTGAAGTCGGCTTGGGGAGCCAGAGGGAGC
>EP39004 (+) Hs CSRP1; range -499 to 100.

AGAAGGGCTGTCTAGGCCCAGGGCCAGCTAGTGAGTGGATGGGCAGAATCAGACCTGCC
CTGGAAGGGTCTGTCTTACCCTGGCGCCAAAATGTGTCCCTCACCTCTGCCACCAGGA
CAAGTAAATTCGAGACACCTTTTCGTTAGGGGCTCAAGTTTATCATGGGTCTGACCTCTA
AGGTCATATCTCCGCCTTCTCACCTGACAGACAGGAACTCCTGAAATGCCCTCGCACG
TGCAAGACGTTTTCCGCGGTGGCGGCGACAGGGCGCACAGTGGGACCGCAGCAGAGCTC
GGAGCACCCCAAGAGTCGCGGACTCTGCCCCGCCCTGCCGGCCGGCCTTCCCGGGGC
CTAGGAGGGCAGCACCGCCGGGCTTCCGCGCATGACATCAGCCCTGGAGTGGTGCAGTGT
GCAAAGCCCCTGGTTGGCGTGGCCGGGACACGCCTTCCGCGAGCGGAACAAAACGGC
GCGCAGGCCGGGCGCACCCAGCCGCCACTTCCGAGAGCGCTGCCGCCCTGCGCCGCCG
AGCCAGCTGCCAGGTGAGTGCCTTGAAGTGCAGCGGCTCTGCCGCCGCGGAGGGGCGC
>EP56002 (+) Hs glycophorin A; range -499 to 100.

CATCTCATGTCTCTTACATTGCTGTGTGGCTCACCATGAGTTTGGGAGTCTTTCAGAACC
TCAGAACACTCAAATGATTTAAATTTCTCAAATACATTCATTTACATATAGGAAGTCAC
TTTCATTTGGACCACTGGGTCTTGACATTAGAAATGAGAAGGTCCATGGCTCCACAACAG
CTACCTCAGCTGGCAGTGCCTGGCCTCAGAGATTCACAGTCCAGTTCTTTGTCCAGT
TGGGTGGCTCTGTCTACCACCTTACCATGCCCACTTAACTGATGCAAAGTTAATATCAC
AAGTAGCAACCTGTTCTTGCAAGTGAATTTTACTTACCACTTTCATAGCCCCAAGATA
TCCATGTATCTTTATTAACAGGCGCTTAACAACCTTGCATCATTTAAATGCCTCCCCTGC
CTATCAGCTGATGATGGCCGAGGAAGGTGGGCTGGAAGATAACAGCTAGCAGGCTAAG
GTCAGACACTGACACTTGCACTTGTCTTTGGTAGTTTTTTTGCCTAACTTCAGGAACCA
GCTCATGATCTCAGGATGTATGGAAAAATAATCTTTGTATTACTATTGTCAGGTAAGTGA
>EP56003 (-) Hs glycophorin B; range -499 to 100.

CATCTCATGTCTCTTACATTGCTGTGTGACTCACCATGAGTTTGGGAGTCTTGCAGAACC
TCAGAACACTCAAATGATTTAAATTTCTCAAATATGTTTCAATTTACATATAGGAAGTCAC
TTTCATTTGGACCACTGGGTCTTGACATTAGAAATGAGAAGGTCTATGGCTCCACAACAG
CTACCTCAGCTGGCAGTGCCTGGCCTCAGAGATTCACAGTCCAGTTCTTTGTCCAGT
TGGGTGGCTCTGTCTACCACCTTACCATGCCCACTTAACTTATGCAAAGTTAATATCAC
AAGTAGCCACCTGTTCTTGCAAGTGAATTTGTACTTACCACTTTCACAGCCCCAAGATA
TCCATGTATCTTTATTAACAGGCGCTTAACAACCTTGCATCATTTAAATGCCTCCCCTGC
CTATCAGCTGATGATGGCCGAGGAAGGTGGGCTGGAAGATAACAGCTAGTAGGCTAAG
GCCAGACACTGACACTTGCACTTGTCTTTGGTAGTTTTTTTGCCTAACTTCAGGAACCA
GCTCATGATCTCAGGATGTATGGAAAAATAATCTTTGTATTACTATTGTCAGGTAAGTGA
>EP56004 (-) Hs glycophorin E; range -499 to 100.

CATCTCATGTCTCTTACATTGCTGTGTGACTCACCATGAGTTTGGGAGTCTTTCAGAACC
TCAGAACACTCAAATGATTTAAATTTCTCAAATATGTTTCAATTTACATATAGGAAGTCAC
TTTCATCTGGACCACTGGGTCTTGACATTAGAAATGAGAAGGTCTATGGCTCCACAACAG
CTACCTCAGCTGGCAGTGCCTGGCCTCAGAGATTCACAGTCCAGTTCTTTGTCCAGT
TGGGTGGCTCTGTCTACCACCTTACCATGCCCACTTAACTGATGCAAAGTTAATATCAC
AAGTAGCCACCTGTTCTTGCAAGTGAATTTGTACTTACCACTTTCATAGCCCCAAGATA
TCCATGTATCTTTATTAACAGGCGCTTAACAACCTTGCATCATTTAAATGCCTCCCCTGC
CTATCAGCTGATGATGGCCGAGGAAGGTGGGCTGGAAGATAACAGCTAGCAGGCTAAG
GCCAGACACTGACACTTGCACTTGTCTTTGGTAGTTTTTTTGCCTAACTTCAGGAGCCA
GCTCGTGATCTCAGGATGTATGGAAAAATAATCTTTGTATTACTATTGTCAGGTAAGTGA
>EP30041 (+) Rn ; range -499 to 100.

TCTCCATCCCTGGCTGCAGCGCTTGACATCGTCCTTCAGTCTCGCATCATCACAACAG
TCCCTCGTTGATCCTCACTGTCCCCCTCCGTTCTTCATCACTCTCCTCGCCATCTCTGGA
CTCTCCCTCGCTGTACCTCGGGGTGCCCTTCTCCTCCCCAAGCCCCAATTGCCCGCTTT
CAGGGCCTCTTGGGCCCAAGCGCATCTCAGCATCACTACCCTTCCCGGTTGGAAACAGG
GCCGCTCACAGCCTTCTGAGGAAAACCCGGTGTCTTAGGCTAGGCAGCTCACACAGAAG
CGGCCAGGCAGAAACGTCCCCTCAGGAGACGAGGATGCCAGCGCCACCCGGCGGGCCCC
ACGCAAAGGCTTCGATAGCACCATCGCCCCTTAAGTGGCCGTCCGTCCGGATTGGCTGC

[illegible]

[illegible]

CCCGCCCTCTTGGAGCCTACCTGCCCTCCCTCCAAACCACTCTTTTAGATTAACAACCC
CATCTCTACTCCACCGCATTGACCCCTGCCGGAAGGCAAGAGGGGAGGTGGGGGGAGGGTTG
CCAGTGAGACGAGGCTCCACACTGGCGAAGGCAAGAGGGGAGGTGGGGGGAGGGTTG
TGCCACACCGGCCAGCTGAGAGCGCGTGTGGGTTGAAGAGGAGGGTGTCTCCGAGAGGG
ACGCTCCCTCGGACCCGCCCTCACCCAGCTGCGAGGGCGCCCCAAGGAGCAGCGCGCG
>EP28011 (+) Hs[GdX]; range -499 to 100.

CCCCCTGCCCTCTCAAGCTCAGTGGAGCGTTTCGAGCCAGACCAGAAAGGAGGAGG
TAGGAAGCCACCAGACAGGGAGCGGGGGCGGGCGTCTGTGGGTATGCAGGGCCAGGCGC
CGCCAGCAGTCTTGGCGCGTGGGGTGGGCCAGGCAGTCCCGGGGGCGAGCGTACCTTCT
GGCCCTCCCTTCTCATGTCCAGCTCCAGATGACGCCAACCTGGCCCGACTGGTTCTT
GCTCCCAACTCCCCCGCTGCTTGTCTTGGGAGGGGTCCGCCGGCCAGGGCGGTGATGC
GCGCGTGCTAGGCGGGACCCCGGGGGGACTCCTCCCGGGGCGCAATTGGGCCGGGGGCG
GGGCGGGGGCGCGGACGGGGCAGGAGGGCGGGGCGGGGAAGCGCGGGCGGGCGGGCGCC
CCTCTCGTGTCTTCGGCGGGCGGGCGGGCGGTTCCAGCGCGCGCCCGGGGCGGGCGCGCG
GGCGGGGGGTGGTTGGGGTGCAGCGCCGGCCGAGTGGACGCCGTGCGACCGCCATGCAG
CTGACGGTGAAGGCGCTGCAGGGCCGCGAGTGCAGCTGCAGGTAGGGTCCCCGGGCCGG
>EP17101 (+) Mm HTF tr-A; range -499 to 100.

ACGAGGACCACGGCTCGGCTCCCAACCAAGGGCGCAGATACGAGGTACGCCCGCCG
TGAAGGTAGACCGCAGCTCCACACAGGGACTCAAAACTCGGGTGTCTAGAGCTGGGACTG
AGGTTTGCGGATGCACTGTCCCAAGGGCCACACGCTGCGCCTGCCTTCGGCTGGCCAGC
GCACACTAGTGCCTCTCTCTCTAAGGGCTTGGTTCCGATGACGTACCGCCGCGCG
CCGAGTCCCGACTGATCTTCCAGCAGCCGCTCACGCCAGCGTCGGAGGCACTCAGCCTG
CAGGCGGAAGTGCAGCGTGGGTGCGCGGAGAGCGCGTCCCCGGGCTGAGGCGCGGCC
GGGCATGCGCCGCGGGCGTTTGGCGGGAAGCGCGGGGCGGGCCGGACAATGAATGTCCG
CTGTGCGAGCCAATAAAGCTACACTGGTTTTGAATCACTGCGCGTTTCCCGCCGCTGGGG
TCAGGGGTACAGGTTTCGGGTGCGGGGGCGAGGGAAGAGCGGACGGGCGGGAGCGCCGCG
GCCAGACGCGGAGGAAAGGAGCTGCGACTAGCCGCCAGAGGCCGCCGAGCCAGCGACGC
>EP17102 (+) Mm HTF tr-C; range -499 to 100.

CTGGAAGGAGGATTGCCGCCCTAATGGGAAGATCACAAGTGGGCCACGACGGAGGAGAT
CGGCCACCTCCAGGTCCCCAGGTGAAGCCGGGAGCCAGTTTGGGCATGGCTGTTTCATCC
GCAGACCACAAGGTACGCGCCGCCCTGTAGACCCCGAGATCGGAGTCTTGGCCAGCAGC
TCCCACTCGCGGACCCCCAAAGACCTCGAGCACCCAGGCCAGGCGCCTCGACAGGCC
CGAACCCGCAAGCCAGCGAGGTTGGAGGCCGAGGCGCGGGCCGCCACGTGGCCGCCCA
TAGCGGCCCTTGCTCTCCGGCTGCCCTGCCCAACCGGGCCTCGTGTACCTTGGCGGC
CGCCATGGGGGCGCGGCGACGGTGGCTCGACTAGCTCAGGCGTCTGCTGGCTCGGCGGCCT
CTGGGCGGCTAGTCGAGCTCCTTCTCCGCTGTGGCGCCGGCGCTCCCGCCGTCGG
CTCTTCCCTCCGCCCCCGACCCGAACCTGACCCCTGACCCAGCGGCGGGAAACGCGC
AGTGATTCAAACCAAGTGTAGCTTTATTGGCTCCGACAGCGGACATTCATTGTCCGGCCC
>EP64001 (+) Hs rag-1; range -499 to 100.

GGTTGAAAGTTCTGAGATTGTTTGGATAACATTTCAAGATAATAATAAAAAAATTCAT
AGTGTGTAAATATCTGATGAACATCTACAAAGAGGCAGACATCGTTTCAAGTATTTTCC
TATAATAACTGTATTGTATAACATTATTGACTCTTTGAGGTATATACTACTAGCCTTTC
CTTTTACAGATGTGGAAGTGAAGCACAGAGATATAGAACCCTGGCAAAAGCTGGGGCTT
ATACTGACTGACAAGACCATTTCCAACCCAAACATTCTCAGGGAGGGAAGTGGCAGCCAG
TGCCCCAGCAAACCTCTCGCATGTTCTACACTCAGGCCCCCTGAGCTAAGCTTCCTA
AAGAGCCAGGTGGCAGCTGGAGCTGGGGTCTCTGGCCCATGATTGGCTGCCATCATTTG
TGGTTAGCCCTCCATGGTGGGGGAGGCTGGGAAGGACAGTGGAAAGCTGATAAACAGCTCA
GCAGCATGTTCTGAGAAACAAGAGGGCAAGGAGAGAGCAGAGAACAACACTTTGCCTTCTC
TTTGGTATTGAGTAATATCAACCAATTGCAGACATCTCAACACTTTGGCCAGGCAGCCT
>EP72003 (+) Hs UBA52; range -499 to 100.

CAGGCACCACCACTTTCTGGGCGAATGCGGTAGTACCGTCTGCTCTCCCTGCTGCTGTC
CTGAAATCCATTAGGCACAGCGCCGAGAGCTTTATAATAACCGATTCCAGGTGTTAGG
TGCTTTCCAGCCCCGACTCTGCGTCTGGACCCGAGTCCTCTGCTTAATACTTTGC
TTTATTAGAAAACATTCTCTCTACTCCGTTTACGCTATTGCTGAGGGCCCGCAACCGC
CAGCGGTTGTAGTGGCTAGAGGCAGCGGACGCAACACGGGGAGAGGTGCAATCGTCT
CAAGTGACTCGGCGGGCGGGGCCACAACCGGAAGCGGGTGGGCGACCTTCAACACAGTG
CGCTGCGGCTTCGTTGCCAGCATCCAAGATGGCGGCAGGGCGGGGCCAAGGCGCGGCG
CGAATTGTGACGAGGCGTCCGGCGTGCTCCGTGCGCAAGCGCTTTCGCGGGCGATTAGG
TGGTTTCCGGTTCCGCTATCTTCTTTTCTTACGCGAGGCGGCCGAGCTGGTTGGTGGCG
GCGGTCGTGCGGGTTCGCGCCGGGCCGAGAGCGGGTGGGGGCTGCGGGAGGCTGCAGGG
>EP14080 (+) Mm[E.Tn] LTR; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN

NN
NNNNNNNTGTAGTCTCCCTCCCCTAGCCTGAAACCTGCTTGCTCAGGGGTGGAGCTTCC
TGCTCATTCGTTCTGCCACGCCACTGCTGGAACCTGCGGAGCCACACAGTGCACCTTT
CTACTGGACCAGAGATTATTCGGCGGGAATCGGGTCCCCTCCCCCTTCTTCATAACTAG
TGTCGCAACAATAAAAATTTGAGCCTTGATCAGAGTAACGTCTTGCTGCTACATTCTTTTCT
CTCGCCACCTAGCCCCTCTTCTCTTCCAGGTTTTCCAAAATCGCTTTTCAGGCTAGAACC
>EP14081 (+) Mm IAP LTR MIA14; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
NNNTGTTGGGAGCCGCGCCACATTC
GCCGTTACAAGATGGCGCTGACAGCTGTGTTCTAAGTGGAACAATAATCTGCGCATA
TGCCGAGGGTGGTTCTCTACTCCATGTGCTCTGCCTCCCCGTGACGTCAACTCGGCCGA
TGGCTGCAGCCAATCAGGAGTAGCACGCTCTAGGCCAAATATAACTCTCTAAAAAAG
GGACGGGGTTTCGTTTTCTCTCTCTCTGTTCTTACTACTCTTGCTCCTGAAGATGTAAG
CAATAAAGTTTTGCCGAGAAGATTCTGGTCTGTGGTGTCTCTCTGGCCGGGCGTGAGA
>EP31002 (-) Mm IAP LTR IAP81; range -499 to 100.

AGACAACTCTATAATACTTTTGTGTTTGGATTCATTTATATTTTTCTTTCTCTGTGT
TTTCCCAGTCCAAAAGCATTATTTTGTCAACTGAATTTTTCTTTCAGTTTGTGACATTT
GTATAAACAAACAAACAAACAAACAACAACTAAAGGTCATGAAACAGGACTGCCACAAA
TATGTAGTAAGTGTCTGTTGTTTACCCTAGGGTTTTTGTCTTAATTATGGGGGATAACAATA
GAAAAATACACAATATCTAGAGAATGCTACTGTTGGGAGCCGCCCCACATTCGCCGTCA
CAAGATGGCGCTGACAGCTGTGTTCTAAGTGGTAAACAAATAATCTGCGCATGTGCCAAG
GGTAGTTTTCCACTACATGTACTCTGCCTTTCCCGTGACGTCAACTCGGCCATGGGCTGC
AGCCAAATCAGGGAGTGATACGTCCTAGGCGAAGGATAACTCTCTAAATAGAGACAGGT
TTCGTTTTCGTTTTGGGGGGCTTTCGTTTTTGGGGCTTGGGGCTTCGCGCTCTGCTCCT
GAAGATGTAAAGCAATAAAGTTTTGCCGAGAAGATTCTGTTTTGTTGTCTTTCTTCTGGC
>EP14082 (+) Mm VL30 NVL-3 LTR; range -499 to 100.

[illegible]

NN
NN
NN
NN
TGAAATTACTGCGCTCTTGTAGAGACATGAAC TTTTACCTCGAGGCCACCCCCACC
ATCTGGA AAACATACTTGAGAAAAAACATTTCTGGACAACCACAGAATGTTTCAACAG
GCCAGATGTATTGCCA AACACAGGATATGACTCTTTGGTTGAGTAAACTTGTGGTTGTTG
GGCTTC CCGCTGTTCCCTCCCCATTC CCCCCTCCAGTTT GAGGTTTTAGCCTTTAAAAGCT
TGTGAAAAATTTGAGTCTTCGT CGAGACTCCTCATCCCTATGCAGAGGTGTACGAGTCTC
GGCCCCAGCGCGCTGGCTTCCCCCCCACCGCTTTATTAAATAGCTTTGTGTGTACGCCATT
>EP16071 (+)Hs[ERV3]: range -499 to 100.

TGTATATGAGGCAGGAAATAT¹AAAAGGAAAAACAAGTAAAGGGAAAAACAAGTCTTCCCT
GATCAGTCTGACTCACTCCAAAGTCTGCTGGAGCTATGATAACATTATCTGCAAGGCCA
GGCAGGGACCCCAAAGAATGGGCTCCAGGAGCAGAGATGAGAAAAACAAGTTCTCCTTA
TCAGTTTCCGCCTTGAAATCTTTCCCATACCATTATTCTTTGTTCTGCTCTCACAAC
ATTTTTGTAACATTTCTGCAAGTTTGCAAGATTTATAAGTTCCTGTTTTCTTTCTG
TAGCACGGCAAGGTCACAAGACATGCTTAAGTAAGATAGGGTCATGTTGCAATCCTGTT
GTAAACCTGTGACGGTATGATTAAGTGTCTTTGTTCTGCTTCTGTAAGACTGCTTTCCT
GTCTCAGAGTTTCTATGCCAAAAACCTGACCCGCCCTGTTGGTTGCATGTATAAAGTC
AAGCCCTGTCATTGTTCAGGGCTCAGCCTTTGGATGTTTCATCGGCTGGGCTGGTGGTCAC
CTAAATAAAATCCTCCTGTTCCACCAAGTGCTCTCCAGCCTCCTGATTCCCAACAAT
>EP07123 (+)M-MLV LTR: range -499 to 100.

NNNNNNNNNNNNNAACCTATGATCTCCTTTTCCTTAATCTTGCTGTTCCCCTCCCCCAT
ATGTTTACCTACTGAACATCACTTGGGGTTGTAGAACTATTGGGAAGTTGTCTGGAGA
AAATTACTGAAAGACCCACCTGTAGGTTTGGCAAGCTAGCTTAAGTAACGCCATTTTGC

AAGGCATGGAAAAATACATAACTGAGAATAGAGAAGTTCAGATCAAGGTCAGGAACAGAT
GGAACAGCTGAATATGGGCCAAACAGGATATCTGTGGTAAGCAGTTCTGCCCGGCTCA
GGGCCAAGAACAGATGGTCCCCAGATGCGGTCCAGCCCTCAGCAGTTTCTAGAGAACCAT
CAGATGTTTCCAGGGTGCCCCAAGGACCTGAAATGACCTGTGCCTTATTTGAACTAACC
AATCAGTTTCGTTCTCGTTCTGTTTCGCGCGCTTCTGCTCCCCGAGCTCAATAAAAGAGC
CCACAACCCCTCACTCGGGGCGCCAGTCTCCGATTGACTGAGTCGCCCGGGTACCCGTG
TATCCAATAAACCTCTTGCACTTGCATCCGACTTGTGGTCTCGCTGTTCTTGGGAGGG
>EP11165 (-) F-MCF LTR; range -499 to 100.

TCCTGACTCAACAATACCACAGCTAAAACCACTAGAATACGAGCCACAATAAATAAAAG
ATTTTATTTAGTTTCCAGAAAAAGGGGGGAATGAAAGACCCACCAAGTTGCTTAGCCTG
ATAGCCGAGTAACGCCATTTTGCAAGGCATGGAAAAATACCAAAACCAAGAATAGAGAAG
TTCAGATCAAGGGCGGGTACACGAAAACAGCTAACGTTGGGCCAAACAGGATATCTGCGG
TAAGCAGTTTCGGCCCCGGCCCGGGGAAGAACAGATGGTCACCGCAGTTTCGGCCCCGGCC
CGGGGAAGAACAGATGGTCCCCAGATATGGCCCAACCCTCAGCAGTTTCTTAAGACCCAT
CAGATGTTTCTAGGCTCCCCAAGGACCTGAAATGACCTGTGCCTTATTTGAATTAACC
AATCAGCCTGCTTCTCGTTCTGTTTCGCGCGCTTCTGCTTCCCGAGCTCTATAAAAGAGC
TCACAACCCCTCACTCGGGCGCCAGTCTCCGACAGACTGAGTCGCCCGGGTACCCGAG
TATCCAATAAATCTCTTGTGCTTGCATCCGACTCGTGGTCTCGCTGTTCTTGGGAGGG
>EP16073 (-) MLV_AKV LTR; range -499 to 100.

NNNNNNNNNNNNNNNNNNNAATGAAAGACCCCTTCATAAGGCTTAGCCAGCTAACTGCAGTA
ACGCCATTTTGCAAGGCATGGGAAAATACCAGAGCTGATGTTCTCAGAAAAACAAGAACA
AGGAAGTACAGAGAGGCTGGAAAGTACCGGGACTAGGGCCAAACAGGATATCTGTGGTCA
AGCACTAGGGCCCCGGCCAGGGCCAAGAACAGATGGTCCCCAGAAACAGAGAGGCTGGA
AAGTACCGGGACTAGGGCCAAACAGGATATCTGTGGTCAAGCACTAGGGCCCCGGCCAG
GGCCAAGAACAGATGGTCCCCAGAAATAGCTAAAACAACAACAGTTTCAAGAGACCCAGA
AACTGTCTCAAGGTTCCCCAGATGACCGGGGATCAACCCCAAGCCTCATTTAAACTAACC
AATCAGCTCGTTCTCGTTCTGTACCCGCGCTTATTGTGCCCAGCTCTATAAAAAGGG
TAAGAACCCACACTCGGCGCGCCAGTCTCCGATAGACTGAGTCGCCCGGGTACCCGTG
TATCCAATAAAGCCTTTTGTGTTGCATCCGAATCGTGGTCTCGCTGATCCTTGGGAGGG
>EP16074 (-) MLV_xeno LTR; range -499 to 100.

ACAGGCCCTGATTCTGACCCAACAGTATCACCAACTCAAATCAATAGAACCAGAAGAAGT
AGAATCGCGTGAATAAATGATTTTATTCAGTTTCCAGAAAGAGGGGGGAATGAAAGACCC
CACCATAAGGCTTAGCAAGCTAGCTGCAGTAACGCCATTTTGCAAGGCATGAAAAAGTAC
CAGAGCTGAGTTTTCAAAAGTTACAAAAAAGTTTGGTTAAAGAATAAGGTTGAATAATAC
TGGGACAGGGGCCAAACAGGATATCTGTGGTTCGAGCACCTGGGCCCCGGCTCAGGGCCAA
GAACAGATGGTACTCAGATAAAGCGGAACCAGCAACAGTTTCTGAAAAAGTCCCACCTCA
GTTTCAAGTTCCCCAAATGACCAGGAAATACCCCAAGCCTTATTTGAACTAACCAATCAG
CTCGCTTCTCGTTCTGTACCCGCGCTTTTGTCTCCCGAGCCCCAGCCCTATAAAAAGGG
TAAGAACTCCACACTGGGCGCGCCAGTCTCCGATAGACTGAGTCGCCCGGGTACCCGTG
TTCCCAATAAAGCCTTTTGTGTTTGCATCCGAATCGTGGTCTCGCTGATCCTTGGGAGG
>EP11166 (-) M-MSV LTR; range -499 to 100.

ATAGAGTACGAGCCATAGTTAAAAATAAAAGATTTTATTTAGTCTCCAGAAAAAGGGGGGA
ATGAAAGACCCACCCGTAAGTGGCAAGCTAGCTTAAGTAACGCCACTTTGCAAGGCATG
AAAATACATAACTGAGAATAGTGAAGTTCAGATCAAGGTCAGGAACAGAAGGACAGCTGG
ATACCAAACAGGATATCTGTGGTAAGCAGTTCTGCCGGCTCAGGGCCAAGAACAGATG
GAACAGCTGAATTGGGGCAAACAGGATATCTGCGGTAAGCAGTTCTGCCCGGCTCAGGC
CAAGAACAGATGGTCCCCAGATGCGGTCCAGCCCTCAGCAGTTTCTAGTGAATCATCAGA
TGTTTCCAGGGTGCCCCAAGGACCTGAAAAAGACCTGTACCTTATTTGAACTAACCAAT
CAGTTTCGCTTCTCGTTCTGTTCGCGCTTCCGCTCTCCGAGAGACTCAATAAAAGAGC
TCACAACCCCTCACTCGGGCGCCAGTCTTCCGATAGACTGCGTCGCCCGGGTACCCGTA
TTCCCAATAAAGCCTCTTGTGTTTGCATCCGAATCGTGGTCTCGCTGTTCTTGGGAGG
>EP16077 (-) GALV LTR; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NNNNNNNTGAAAGAAGTGTTTTCAAGTTAGCTGCAGTAACGCCATTCTAAGGCACGCC
CAAAGCTAAAGTTAAAGAAGAAAAAACCGGGCCAAACAGGATATCTGTGGTCATACAC
CTGAACCCCGGCCAGGGCCAAACACAGATGGTTCCAGAAATAAAATGGGTCAACAGCAG
TTTCAGGGTGCCCTCAACTGTTTCAAGAACTCCCATGACCGGAGCTCACCCCTGACTC
TATTTGAACTTAACCAATCACCTTGCTTCTCGTTCTGTACCCGCGCTTTTGTATAAA
AGGAGCTCAGAAATTGGGCGCGCCAGTCTTCAAGAGACTGAGTCGCCCGGGTACCCGTG
TGATCAATAAAACCTCTTGCTACTTGCATCCGAAGTCGTGGTCTCGCTGTTCTTGGGAA
>EP16078 (-) SSV LTR_A; range -499 to 100.

TAAGGAGACAGACCCACCTCTGGGTTACAGTGAAAAGTTTAGTGGTTAAAAACATTTTA
ATAAAAGTCAGTGGACTTCCCTTTACTCCAGAAACACAGCCAATCATGCCCCAGGATGTT

ACTAGAACCCCTCAGTAATTGAAGGAAGTGTTTTTCAAGCTAGCTGCAGTAACGCCATTT
TGCAAGGCACGAAAAATTACCTGGTAAAAAGCCCAAAGCATAGGGGAAGTACAGCTAAA
GGTCAAGTCGAGAAAAACAAGGAGAACAGGGCCAAACAGGATATCTGTGGTCATGCCTGG
GCCGGCCAGGGCCAAAGACAGATGGTTCCAGAAATAGATGAGTCAACAGCAGTTTCTA
GGGTGCCCTCAACTGTTTCAAGAACTCCACATGACCGGAGCTCACCCCTGGCCTTATT
TGAAGTACCAATTACCTTGCTTCTCGCTTCTGTACCCGCGCTTTTGTATAAAATGAG
CTCAGAACTCCACTCGGCGCGCCAGTCTCCGAGAGACTGAGTCGCCCGGGTACCTGTG
TGTTCAATAAAACCTCTTGCTATTTGCATCCGAAGCCGTGGTCTCGTTGTTCTTGGGAG
>EP79001 (-) SSV LTR_B; range -499 to 100.

TAGGTTAGTCCAATTCATCAATAATAGAGTAAGTGCAGTTAAAATTCTGGTCCTTAGACA
GAAATATCAGACCCTAGATAACGAAGATAACCTTTGATTCCGCTCTAAGATTAGAGCTAT
CCACAAGAGAAATGGGGGAATGAAGGAAGTGTTCCTCAAGCTAGCTGCAGTAACGCCATT
TTGCAAGGCACGGAAATTACCTGGTAAAAAGCCCAAAGCATAGGGGAAGTACAGCTAAA
GGTCAAGTCGAGAAAAACAAGGAGAACAGGGCCAAACAGGATATCTGTGGTCATGCCTGG
GCCGGCCAGGGCCAAAGACAGATGGTTCCAGAAATAGATGAGTCAACAGCAGTTTCTA
GGGTGCCCTCAACTGTTTCAAGAACTCCACATGACCGGAGCTCACCCCTGGCCTTATT
TGAAGTACCAATTACCTTGCTTCTCGCTTCTGTACCCGCGCTTTTGTATAAAATGAG
CTCAGAACTCCACTCGGCGCGCCAGTCTCCGAGAGACTGAGTCGCCCGGGTACCTGTG
TGTTCAATAAAACCTCTTGCTATTTGCATCCGAAGCCGTGGTCTCGTTGTTCTTGGGAG
>EP11168 (-) GA-FeLV LTR; range -499 to 100.

TCCTTAACAGATTAGTACAATTTCGTAAAGACAGAATATCTGTGGTACAAGCCTTAATTT
TAACCCAACAGTACCAACAGATAAAGCAATACGATCCGGACCGACCATAATTTCCAATTA
AATGTATGATTCCATTTAGTCTCCAGAAAAAGGGGGGAATGAAAGACCCCTACCCAAA
ATTTAGCCAGCTATTGCAGTGGTGCCATTTACAAGGCATGGAAAATTACTCAAGTATGT
TCCCATGAGATAACAAGGAAGTTAGAGGCTGAAACAGGATATCTGTGGTTAAGCACCTGGG
CCCCGGCTTGAGGCCAAGAACAGTTAAACCCCATATAGCTGAAACAGCAGAAGTTTCAA
GGCCGCTGCCAGAGTCTCCAGGCTCCCCAGTTGACCAGAGTTCGACCTTCCGCCTCATT
TGAAC TAACCAATCCCCACGCCTCTCGCTTCTGTGCGCGCTTTCTGCTATAAAACGAG
CCCTCAGCCCCAACGGGCGCGCAAGTCTTTGCTGAGACTTGACCGCCCCGGGTACCCGT
GTACGAATAAACCTCTTGCTGTTTGCATCTGACTCGTGGTCTCGGTGTTCCGTGGGTACG
>EP11169 (+) MMTV LTR; range -499 to 100.

ATTGGGATAGGTGGGTACAATCAACGGCTATAAAGTGTATACAGATCCCTCCCCTTTC
GTGAAAGACTCGCCAGAGCTAGACCTCCTTGGTGTATGCTAACTGAGAAAGAGAAAGACG
ACATGAAACAACAGGTACATGATTATATTTATCTAGGAACAGGAATGCACTTTTGGGGAA
AGGTTTTCCATACCAAGGAAGGGGCAAGTGGCTGGACTGATAGAACATTATTCTGCAAAAA
CTTATGGTATGAGTTATTATGATTAGCCTTTATTTGCCAACCTTGCGGTTCCAGGGTT
TAAATAAGTTTATGTTTACAACTGTTCTTAAACGAGGATGTGAGACAAGTGGTTTCCT
GACTTGGTTTGGTATCAAATGTTCTGATCTGAGCTCTTAGTGTTCTATTTTCTATGTTT
TTTTGGAATCTATCCAAGTCTTATGTAATGCTTATGTAAACCATAATATAAAGAGTGC
TGATTTTTTGTAGTAACTTGCAACAGTCTTAACATTCTTCTCTCGTGTGTTTGTGTCTGT
TCGCCATCCCGTCTCCGCTCGTCACTTATCCTTCACTTTTCAGAGGGTCCCCCGCAGAT
>EP16079 (+) BLV LTR; range -499 to 100.

TTTCCCCGGGACTCCAATGAACCCCCCTTTCAGAATTCGAGCTGCCCCCATCCAAACG
CCCGGCTGTCTTGGTCTGTCCCCGCGATCGACCTATTCTTAACCGGTCCCCCTTCCCA
TGTGACCGGTTACACGTATGGTCCAGTCTCAGGCCTTACAGCGCTTCTTCATGACCTT
ACGCTAACCTGGTCCGAATTGGTTGCTAGCAGAAAAATAAGACTTGATTCCCCCTTAAAA
TTACAAGTGTAGAAAATGAATGGCTCTCCCGCTTTTTTGAGGGGGAGTCATTTGTATG
AAAGATCATGCCGACCTAGGAGCCGCCACCGCCCCGTAAACCAGACAGAGACGTGAGCTG
CCAGAAAAGCTGGTGACGGCAGCTGGTGGCTAGAATCCCCGTACCTCCCCAACTTCCCT
TTCCCCGAAAAATCCACACCTGTAGCTGCTGACCTCACCTGCTGATAAAATTAATAAAATGC
CGGCCCTGTGAGTTAGCGGCACCAGAAGCGTTCTTCTCCTGAGACCCTCGTGCTCAGCT
CTCGGTCTGAGCTCTTGTCTCCGAGACCTTCTGGTGGCTATCCGGCAGCGGTACGG
>EP07124 (+) HTLV-I LTR; range -499 to 100.

NN
NN
NNNNGGAAAACTTGGAGTGTAGTTCTGACAATGACCATGAGCCCCAAATATCCCCGGG
GGCTTAGAGCTCCAGTGAAAAACATTTCCGAGAAACAGAAGTCTGAAAAGGTGAGGGC
CCAGACTAAGGTCTGACGTCTCCCCCGGAGGGCAGCTCAGCACCGGCTCGGGCTAGGC
CCTGACGTGTCCCCCTGAAGACAAATCATAAGCTCAGACCTCCGGGAAGCCACCAAGAAC
CACCCATTTCTCCCCATGTTTGTCAAGCCGTCTCAGGCGTTGACGACAACCCCTCACC
TCAAAAACTTTTTCATGGCACGCATATGGCTCAATAAACTAGCAGGAGTCTATAAAGCG
TGGAGACAGTTGAGGAGGGGGCTCGCATCTCTCTTACGCGCCCGCCGCCCTACCTGAG
GCCGCCATCCACGCCGTTGAGTCGCTTCTGCCGCTCCCGCTGTGGTGCCTCTGAA
>EP16080 (-) HTLV-II LTR; range -499 to 100.

NN

GCAC TAGTCCCACAA TACAAGCCACTCCCACAATAACAAGCCACTCCCAACAGAGATGGAT
ACCCTAGGTCAATGATTTGACCAGAATGTACAAGAGCAGTGGGGAATGTGGGAGGGAGCT
CTGGGGGAAATAGCGCTGGCTCGCAACTGCTATATTAGCTTCTGTACTCATGCTTGCTTG
CCTGGCCACTAACC GCCATATTAGCTTCTGTACACATGCTTGCTTGCCGTAGCCGCCATT
GACTTGATATGCCATTTCTCGGAATCGGCATCAAGTTTCGCTTCTCGAGAGCAAGCCCA
CAAACCACAAAAGGAAACGCGCACC GAAGGCAAGCATCAGACCACTTGCGCCATCCAATC
ATGAACGGACACGAGATCGGACTATCATACTGGAGCCAATGGTTGTAAGGGGCAGATGCT
ACTCTCCAATGAGGGGAAAATGTCATGTAACACCCGTGAAGCTGTAAGCGGCTATATAAGC
CGGGTACATCTCTTGCTCGGGTGC CGCTCCTGCACATTGTTGTTGTGACGTGCGGCCCA
GATTCGAATCTGTAATAAAACTTTTTCTTCTGAATCCTCAGATTGGCAGTGAGAGGAGAT
>EP07125 (-)HIV-1 LTR: range -499 to 100.

AAGGCAGCTTTAGATATTAGCCACTTTTTAAAAGAAAAGGGGGGACTGGAAGGGCTAATT
TGGTCCCAAAGAAGACAAGAGATCCTTGATCTGTGGATCTACCACACACAAGGCTACTTC
CCTGATTGGCAGAATTACACACCAGGGCCAGGGATCAGATATCCACTGACCTTTGGATGG
TGCTTCAAGCTAGTACCAGTTGAGCCAGAGAAGGTAGAAGAGGCCAATGAAGGAGAGAAC
AACAGCTTGTTACACCCTATGAGCCTGCATGGGATGGAGGACGCGGAGAAAGAAGTGTTA
GTGTGGAGGTTTGACAGCAAACTAGCATTTTCATCACATGGCCCCGAGAGCTGCATCCGGAG
TACTACAAAGACTGCTGACATCGAGCTTTCTACAAGGGACTTTCCGCTGGGGACTTTCCA
GGGAGGCGTGGCCTGGGCGGGACTGGGGAGTGGCGTCCCTCAGATGCTGCATATAAGCAG
CTGCTTTTTGCCTGTACTGGGTCTCTCTGGTTAGACCAGATCTGAGCCTGGGAGCTCTCT
GGCTAACTAGGGAACCCACTGCTTAAGCCTCAATAAAGCTTGCCTTGAGTGCTTCAAGTA
>EP16081 (+) HIV-2 LTR; range -499 to 100.

AGGAAGAAGGGATAATTGCAGATTGGCAGAACTACACTCATGGGCCAGGAGTAAGATACC
CAATGTTCTTTGGGTGGCTATGGAAGCTAGTACCAGTAGATGTCCACAAGAAGGGGAGG
ACACTGAGACTCACTGCTTAGTACATCCAGCACAACAAGCAAGTTTGATGACCCGCATG
GGGAGACACTAGTCTGGGAGTTTGATCCCTTGCTGGCTTATAGTTACGAGGCTTTTATTC
GGTACCCAGAGGAATTTGGGCACAAGTCAGGCCTGCCAGAGGAAGAGTGAAGGCGAGAC
TGAAAGCAAGAGGAATACCATTTAGTTAAAGACAGGAACAGCTATACTTGGTCAGGGCAG
GAAGTAACATAACAGAAACAGCTGAGACTGCAGGGACTTTCCAGAAGGGGCTGTAACCAAG
GGAGGGACATGGGAGGAGCTGGTGGGGAACGCCCTCATATTCTCTGTATAAATATACCCG
CTAGCTTGCAATTGTACTTCGGTCGCTCTGCGGAGAGGCTGGCAGATTGAGCCCTGGGAGG
TTCTCTCCAGCAGTAGCAGGTAGAGCCTGGGTGTTCCCTGCTAGACTCTACCAGCACTT
>EP16082 (-) SRV-1 LTR; range -499 to 100.

GATTTATTACAGTGCAAGAAGACATAGAATCTTAGACATGTACTTAGAAAAGGAAGAAGG
CATCATACCAGATTGGCAGGATTACACCTCAGGACCAGGAATTAGATACCCAAAGACATT
TGGCTGGCTATGGAATAGTCCCTGTAAATGTATCAGATGAGGCACAGGAGGATGAGAG
GCATTATTTAATGCAGCCAGCTCAAACCTCCAAGTGGGATGACCCTTGGGGAGAGGTTCT
AGCGTGGAAGTTTGATCCAACCTCTAGCCTACACTTATGAGGCATATGCTAGATACCCAGA
AGAGTTGGAAGCAAGTCAGGCCTGTGAGAGGAAGAGGTTAGAAGAAGGCTAACCGCAAGA
GGCCTTCTTAACATGGCTGACAAGAGGGGAACTCGCTGAGATAGCAGGGACTTTCCACAA
GGGGATGTTATGGGAGGAGCCGGTGGGGAACACCCACTTTCTTGATGTATAAATATCAC
TGCATTTTCGCTCTGTATTAGTCGCTCTGCGGAGAGGCTGGCAGATTGAGCCCTGGGAGG
TTCTCTCCAGCACTAGCAGGTAGAGCCTGGGTGTTCCCTGCTAGACTCTACCAGCACTT
>EP16083 (-) SIV LTR; range -499 to 100.

CAGTGCAAGAAGACATAGAATCTTAGACATATACTTAGAAAAGGAAGAAGGCATCATACC
AGATTGGCAGATACACTCCGACCAGGAATTAGATACCTAAAGATGTTTGGCTGGCTATG
GAAATTAATCCCTGTAAATGTATCAGATGAGGCACAGGAGGATGAGGAGCATTATTTAGT
GCACCCAGCTCAAACCTCCAGTGGGATGACCCTTGGGGAGAGGTTCTAGCATGGAAGTT
TGATCCAACCTCTAGCCTACACTTATGAGGCATATATTAGATACCCAGAAGAGTTTGGAAG
CAAGTCAGGCCTGTGAGAGAAAGAGGTTAAAAGAAGGCTAGCCGCAAGAGGCCTTCTTGA
AATGGCTGACAGGAAGGAACTAGCTGAGACAGCAGGGACTTTCCACAAGGGGATGTCAT
GGGGAGGTACTGGGAGGAGCCGGTGGGGAACACCCACTTTCTTGATGTATAAATATCAC
TGCAATTCGCTCTGTATTAGTCGCTCTGCGGAGAGGCTGGCAGATTGAGCCCTGGGAGG
TTCTCTCCAGCACTAGCAGGTAGAGCCTGGGTGTTCCCTGCTAGACTCTACCAGCACTT
>EP11173 (+) Visna LTR; range -499 to 100.

AAACAAAAAAGAAACGGGGATGGTACAAATGGCTGCGCAAGCTTAGAGCACGAGAGAAGA
ACATCCCATCGCAGTTTTATCCAGATATGGAGAGCAACATGGTGGGCATGGAAAACCTCA
CCTTGGAGACAACTGGAGGACAATGCCCTATATAACCCTGCTACCCATATTGGTGATA
TGGCAATGGATGGAAGAGAATGGATGGAATGGAGAGAATCAGCACAAAAAGAAAAAGAA
AGGGTGGACTGTCAGGACAGAGAAATGCCTACCCTGGAAAATGACTATGTAGAGTTA
TAGGAAGGTCATGTCACTGTTACAGAAATCATAGTCAGGATGACACAGCAAAATGTAACC
GGTTACCAGAAATCATAGTCAGGATGACACAGCAAAATGTAACCGCAAGTTCTGCTTTTTT
GCTAAGTCATGTAGCAGCTGATGCTTGAGTCATAACCGCAGATGTAAACAAGTTGCCTAT
ATAAGCCGCTTGCTAGCTGGGAAAAGCAGAGTGCTTTGGAGAGCTCGAAGGAAAGAGTC
TCCGGGCTCTCCTGCCTGCCTGAAAAGCTCAATAAAGGAGTTGGCTGATATCTGANNNN
>EP11174 (+) HCMV IE-I; range -499 to 100.

GCCCGCTGGCTGACCGCCCAACGACCCCCGCCATTGACGTCAATAATGACGTATGTTT
CCATAGTAACGCCAATAGGGACTTTCCATTGACGTCAATGGGTGGAGTATTTACGGTAAA
CTGCCCCACTTGGCAGTACATCAAGTGTATCATATGCCAAGTACGCCCCCTATTGACGTCA
ATGACGGTAAATGGCCCGCTGGCATTATGCCAGTACATGACCTTATGGGACTTTCTTA
CTTGGCAGTACATCTACGTATTAGTCATCGCTATTACCATGGTGATGCGGTTTTGGCAGT
ACATCAATGGGCGTGGATAGCGGTTTGAATCACGGGGATTTCCAAGTCTCCACCCCATTTG
ACGTCAATGGGAGTTTGTTTTGGCACAAAATCAACGGGACTTTCCAAAATGTCGTAACA
ACTCCGCCCATTTGACGCAAAATGGGCGGTAGGCGTGTACGGTGGGAGGTCTATATAAGCA
GAGCTCGTTTGTAGTAACCGTCAGATCGCCTGGAGACGCCATCCACGCTGTTTTGACCTCC
ATAGAAGACACCGGGACCGATCCAGCCTCCGCGGCCGGGAACGGTGCAATTGGAACGCGGA

>EP16084 (+) MCMV IE-I; range -499 to 100.

CTGGCACGTACTGAGTCATTAGGGACTTTCCAATGGGTTTTGCCAGTACATAAGGTC
AATAGGGGTGAATCAACAGGAAAGTCCCATTGGAGCCAAGTACACTGAGTCAATAGGGAC
TTTCCATTGGGTTTTGCCAGTACAAAAGGTCAATAGGGGGTGAAGTCAATGGGTTTTTCC
CATTATTGGCACGTACATAAGGTCAATAGGGGTGAGTCATTGGGTTTTTCCAGCCAATTT
AATTAACGCCATGTACTTTCCACCATTGACGTCAATGGGCTATTGAACTAATGCAA
CGTGACCTTTAAACGGTACTTTCCCATAGCTGATTAATGGGAAAGTACCGTTCTCGAGCC
AATACACGTCAATGGGAAGTGAAGGGCAGCCAAACGTAACACCGCCCCGGTTTTCCCT
GGAAATCCATATTGGCACGATTCTATTGGCTGAGCTGCGTTACGTGGGTATAAGAGG
CGCGACCAGCGTCGGTACCGTCGAGTCTTCGGTCTGACCACCGTAGAACGCAGAGCTCC
TCGCTGCAGTATCCTGCCAAGAAAGAGCGACCTTCCCCGGCTACTGAAGCGCATCGGAC

>EP24023 (+) HCMV IE gp/UL37; range -499 to 100.

GATCATCACTACGCCTTGAAAAAGGCTTGATAATGATAATTGCACATCCTCACGAGTGCC
CTTACCTATCATCACTAAGAATAAAGAAAAATCGATCGGTGTCTGACGTGTGGTGTGT
GTTTTTACGGTTATCGGGTACCAGGGAGGAGGGGTTAAGAGGTACAGGTGCGATTAC
CGTAAAGAGAGTCACACTTAAGAAAAAGGTGGAATCCCTACCCGTCCTATTCCCGTCA
GTGACGTGAATGCCCTCACGTCGTGTGTCCTTATCCGCGTGAGTTGGGTGGTCA
CCGTACAGGTGCTCCGAGACGCGGTACTCGGAACTGTGCGTCAATGCGGTGCGTCAGCC
GACCCCTTTGATGTAGTACATCGCGTGCGAAGATGAAAAACATCTTAAGAAACGGGTGCG
CTAAGGGGAAAACCCACGTGTCTTGGGCGCGTCATGTCCGGCATCTTCATGTATATAAG
ACGGTGTCTTCAAGACGACGTGAGACCCACACGCGGGTTTCACTTCTTTCTTAATTATGT
CTCCAGTCTACGTGAATCTGTTAGGTAGCGTGGGCTGCTGGCCTTTTGGTACTTTAGCT

>EP24024 (+) HCMV IE gp/US3; range -499 to 100.

GACAATCGCCGACAAGCCGGCCGTTGTGTATGCATGTCGCGACAGAGAGGTGTAGCGGG
CTGTCACATCAACTCTATCGCGACAGACATCCCCCTGCACGTCCATGTCGCGACACGACC
ACTAATCCGACCTGTCTGTCGACATGTCGCGACACCCGGTCCCCCTCATGCCCTATCGGG
ATATCGCCGTGTAATGGGGGTGGGCGACTGACGTGACTCTTGACGTTTATAAACCGCATG
GGAAAGTACGGTGTGCGCACCGTTGACGTGGGCGGCGATGAGAACGTACGCGGTGGCGAA
ACCGCCGTGCGGAAAGTCCCGGTGCGGAAATCACCGTGTGAAAAGTCCCGGTGTTGAAAC
CGCCGTGTGGAAAGTCCCGGTTTGGAAATCCAGTACGGAAAGTACCGTAACGCCTCTTT
TGGCACGTAGTTGCCTACTACGTAGGGGAAACAACGTACCAAGAAACGCTATATATTCA
AAAACACCGTTACGTCCACACGCTACTTCTCAGCGAAGCACTGCTGCAGCCAGACCGGAG
CGGTGAGCGGAGCCGAGCAGCGGACCTTCGGAGCCATGAAGCCGTTGTTGGTGTCTCGCGA

>EP07128 (+) HSV-1 IE-I; range -499 to 100.

CTTCCCGCTTCCGGCAATTCCCGCGCCCTTAATGGGCAACCCCGGTATTCCCCGCCTCC
CGCGCCGCGCGTAACCACTCCCTGGGGTTCCGGGTTATGCTAATTGCTTTTTTGGCGGA
ACACACGGCCCTCGCGCATTGGCCGCGGGTCTGCTCAATGAACCCGATTGGTCCCTG
GGGTTCCGGGTATGGTAATGAGTTTCTTCGGGAAGGCGGGAAGCCCCGGGGCACCGACGC
AGGCCAAGCCCTGTTGCGTCGGCGGGAGGGGCATGCTAATGGGTTCTTTGGGGGACAC
CGGGTTGGGCCCCAAATCGGGGCGGGCCGTGCTAATGATATTCTTTGGGGGCG
CCGGGTTGGTCCCCGGGGACGGGGCGCCCCGCGGTGGGCTGCTCCCTGGGACGCGC
GGCCATTGGGGGAATCGTCACTGCCGCCCTTTGGGGAGGGGAAAGGCGTGGGGTATAAG
TTAGCCCTGGCCGACAGTCTGGTGCATTTGCACCTCGGCACTCGGAGCGAGACGACGAGC
AGCCAGGCAGACTCGGGCGCCCCCTCTCCGCATCACCACAGAAGCCCCGCTACGTTGC

>EP07129 (+) HSV-1 IE-II; range -499 to 100.

ATCGCAGTGCGATTGTGTTATATCGCCGTGGTGGCCGGGGTGGTGTCTCGTGGCGCTTAC
TACGAGCAGGAGATCCAGAGGCGCTGTTTGATGTATGACGTACATCCAGGCCGGCGGA
AACCGTAACGGCATATGCAAAATGGAAGTGTCTGTCTTGGGGCCACCCACCCGACGC
GTATATGCAAAATGAAATCGGTCCCCGAGGCCACGTGAGCTGGATCCCAACGACCC
CGCCCATGGGTCCCAATTGGCTCCCGTTACCAAGACCAACCCAGCCAGCGTATCCACC
CCCCCGGGGTCCCCGCGGAAGCGGAACGGGGTATGTGATATGCTAATTAAATACATGCC
ACGTACTTATGGTGTCTGATTGGTCTTGTCTGTGCGGAGGTGGGGCGGGGGCCCCGCC
CGGGGGGCGGAACGAGGAGGGGTTTGGGAGAGCGGCCCGGCCACCGGTATAAGGAC
ATCCACCACCGGCCGGTGGTGGTGTGACGCCGTGTTCCAACACGGTCACGCTTCGGTG
CCTCTCCCCGATTGGGGCCGGTCTGCTCGTACCGGTGCGCCACCACAGAGGCCATATC

>EP11175 (-) HSV-2 IE-II; range -499 to 100.

NN
NN
GTGCCCCATACAAATTAATACACGACCCGCTCGGGCCTACGCACCCCTCGCACGTGCA
TGCAAATTAATATCGTGACAGGCCGATCCGGCTCGGGTCTGCTTGCCCTCCCCGGCC
CAGCACAGGCAGGCTCGTCCGACTTCCGCATACACCCACCCCTACCGCGTGCTTCCGACC
CCGCCCACGCGTGACGCGAGGCGGACCCAGGCCTGTCCGTATGTCAATTAAATACATAA
AACCCACCCCTCGGTGTCTGATTGGTTCTTGGGGACGGCGGGGGCGGGGGCGGTGACGCC
GACGGGGAGGGACAAGGAGGAGTTTCGGAAGCCGGCCCCGGTCTGTCGGGTATAAGGGC
AGCCACCGGCCCACTGGGCGCTGTGTGCTGCCGTGTGCCGACCCCGGTTGCGCGTCGGTG

CCGCTCCTCGATTTCGACCCGGCCACTCTCTTCCGACACGCGCCCCCTCGGAGGACACCC
>EP07130 (+) HSV-1 IE-III; range -499 to 100.

CGGTCCCGCCCCCGGCCAATGGGGGGGCGGCAAGGCGGGCGGCCCTTGGGCGCCCCGCC
GTCCCGTTGGTCCCGCGTCCGGCGGGCGGACCGGGGGGCCCGGGGACGGCCAACGGGC
GCGCGGGGCTCGTATCTATTACCGCCGAACCGGAAGTCGGGGCCCGGGCCCCGCCCCC
TGCCCGTTCTCTGTAGCATGCGGAACGGAAGCGGAACCGCCGGATCGGGCGGTAATGA
GATGCCATGCGGGGCGGGGCGGACCCACCGCCCTCGCGCCCCGCCCATGGCAGATGG
CGCGGATGGGCGGGGCGGGGTTTCGACCAACGGGCGCGGCCACGGGCCCCGGCGTGC
CGGCGTCGGGGCGGGGTCGTGCATAATGGAATTCCGTTTCGGGTGGGCCCGCGGGGGGG
CGGGGGGCGGCGGCTCCGCTGCTCCTCTTCCCGCCGCCCCCTGGGACTATATGAGCC
CGAGGACGCCCCGATCGTCCACACGAGCGCGGCTGCCGACACGGATCCACGACCCGACG
CGGGACCGCCAGAGACAGACCGTCAGACGCTCGCCGCGCGGGACGCCGATACGCGGACG
>EP11176 (-) HSV-2 IE-III; range -499 to 100.

TTGCCCTAATAATATATACTATTAGGACGAAGTGCGAACGCTTCGCGTTCTCACTTCT
TTTACCCTGCGGCCCCGCCCTTTGGGGCGGACGCGCCCGCGGACCAACGGGGCGACCT
CGCCGGCCCCCTTTGGGGCGGCGGGGGCCAACGGGAGCGGGGCGGCATCTCATTACC
ACGAACCCCGGAAGGGCAGGGGAGCGACCCCGCCGCGACGAGGGTCTCATTAGCATCGCG
GGCGGAAGCGGAAGGCGCGCCCGCGGGCGCTAATGAGATGCCGCGGGCGGGCGGCGGG
CGCGCGACCAACGGGTGCGCCGCCACGGACGCGGACGCGCGGGCGTGGGGCGGGGCCGCG
CATAATGCGGTTCCACCTGGGGGCGGAACCGGCGCGGGGCGCGGCGGCGTGCATCGCT
CCTCCTCGCGTCTCTCTCTTCCCCCGCCCCGCGCGCCCCGAGCGACTATATCAGCC
AGGCGACGGGGCGATCGTCCACACGGAGCGCGGCTACCGACGCGGGCGCCAGGATCTACC
CGATCGGCGCGGAGAGGCGAAAAGACACAGGCACACGCACGCACCGCACGGGGGGGAGAG
>EP07131 (-) HSV-1 IE-IV/V; range -499 to 100.

CGCCATCTGCCATGGGCGGGGCGCGAGGGCGGGTGGGTCCGCGCCCCGCCCGCATGGCA
TCTCATTACCGCCCGATCCGCGGTTTCCGCTTCCGTTCCGCATGCTAACGAGGAACGGG
CAGGGGGCGGGGCCCGGGCCCCGACTTCCCGGTTCCGGCGTAATGAGATACGAGCCCCGC
GCGCCCGTTGGCCGTCCCCGGGCCCCCGGTCCCGCCCGCCGACGCCGGGACCAACGGG
ACGGCGGGGCGGCCAAGGGCGCCCCGCCTTGCCGCCCCCATTGGCCGGCGGGCGGGAC
CGCCCCAAGGGGGCGGGGCGCGGGTAAAGAAGTGAGAACGCGAAGCGTTCGCACTTC
GTCCCAATATATATATATTATTAGGGCGAAGTGCAGCACTGGCGCCGTGCCGACTCCG
CGCCGGCCCCGGGGCGGGGCCGGGCGGGGGCGGGTCTCTCCGGCGCACATAAAGG
CCCGGCGGACCGACGCGCCGAGAGGCGCGGCCGCGCCACGAACGACGGGAGCGGCTGCGGAG
CACGCGGACCGGGAGCGGGATCGCAGAGGCCGTGCGGACGCGACGGCGTCCGGCATCGCG
>EP11177 (+) HSV-2 IE-IV/V; range -499 to 100.

CGCCCGCATGCTAATGAGACCCTCGTCGCGGGCGGGCTCGTCCCTGCCCTTCCGGGT
TCGTGGTAATGAGATGCCGGCCCCGCGTCCCGTTGGCCCCCGCGGCCCAAAGGGGCC
GGCGAGGTGCCCCGTTGGTCCGCGGGCGGTCCGCCCCAAGGGGGCGGGGCCGAGGG
TAAAGAAGTGAGAACGCGAAGCGTTCGCACTTCGTCTAATAGTATATATATTATTAGG
GCAAAGTGCGAGCGCTGGCGCCCTGCCCGGGGCCGCGTCATCCGCGGTGCCGCCCCA
AAGGGGGCGGGGCCGAGGGTAAAGAAGTGAGAACGCGAAGCGTTCGCACTTCGTCTTA
ATAGTATATATATTATTAGGGCAAAGTGCGAGCACTGGCGCCCTGCCCGGGGCCGCGTC
ATCCCGCGGGGCCCGCCGAGGCGGGGCCGACGGGGGGCGGGCCGTTCCTCGCGCACATA
AAGGGCGGGCGTCCCGGTGCGCGCCGACACAGGGGCACACCGNNNNNNNNNNNNNNNNN
NN
>EP15057 (+) HCMV b' DNA POL; range -499 to 100.

TCAGGGTACTGGAACCTTACTCGCAGAAAGAGCTGCGTTCCAGCAACGTTTTTGACCTCG
AAGAGATCATGCGGAATTAACCTCGTACAAGCAGCGGTAAAGTACGTGGAGGACAAGG
TAGTCAGCCGCTACCGGCTACCTCAAGGGTCTGGACGACCTCATGAGCGGCTGGGCG
CCGCGGGAAGGCGGTTGGCTTAGCCATTGGGGCGTGGGTGGCGGGTGGCCTCCGTGG
TCGAAGGCGTTGCCACCTTCTCAAAAACCCCTTCGGAGCCTTACCATCATCTCTGTGG
CCATAGCCGTAGTCATTATCACTTATTTGATCTATACTCGACAGCGGCGTCTGTGCACGC
AGCCGCTGCAGAACCTCTTCCCTATCTGGTGTCCGCCGACGGGACCACCGTGACGTGCG
GCAGCACCAAGACACGTCGTTACAGGCTCCGCTTCTACGAGGAAAGTGTATATAATT
CTGGTCGCAAAGGACCGGGACACCGTCGTCTGATGCATCCACGGCGGCTCCGCCTTACA
CCAACGAGCAGGCTTACCAGATGCTTCTGGCCCTGGCCCGTCTGGACGACAGCAGCGAG
>EP24003 (+) HCMV b' 2.2 kb; range -499 to 100.

GTTGAGGCGGTATCTGGAGATCGTGTTTCCCGCAGGCGACCACGTCTATCCCGGACTCAA
GACGGAATTGCATAGTATGCGCTCGACGCTAGAATCCATCTACAAAGACATGCGGCAATG
TGTAAGTGTCTCTGTGGCGGCGCTGTCCGACAGAGGTAACAACGTGTTTCATAGCACGCT
GTTTTACTTTTGTGGGCTCCAGCCTCTGTTAGGTTGCGGAGATAAGTCCGTGATTAGT
CGGCTGTCTCAGGAGGCGGAAAGGAAATCGGATAACGGCACGCGGAAAGGTCTCAGCGAG
TTGGACACGTTGTTTAGCCGTCTCGAAGAGTATCTGCACTCGAGAAAGTAGCGTTGCGAT
TTGCAGTCCGCTCCGGTGTGTTTACCCAGTTACTTTAATAAACGTACTGTTTAACCACG
TTGCGTGTGACGTTGTTTGTGGGTGTTGCTAGGCGGGCTGGAAAGATGATGTATAAATA

GAGTCTGCGACGGGGTTTCGGCGCTCTGCCGGCTGCGGCGGCACTCGCTCCACGGCCTCCG
ACGAGCGTTGCGCTCGCGCTTTGCGCCGCCGCGTCATGGATCTCCCTACTACCGTCGTGC
>EP24021 (+) HCMV b' 2.7 kb; range -499 to 100.

GCAGCAGACTGATTCTGTTGTACGGAGTGGGTCATCGGTTGAATGACGAAGAAGATGGTGA
ACTGTGGAGAGTTTCGGTTTCTTAATAATCCCATACGACATGTGTTTATTTATATCTGAA
TTTTAGGATGATGACTATAGTATAACTCTGGGGAACAAATATCATACGTTAATCACTTTA
AGTTACGCCGTTAGGAAAAGAAAATCAGTCCGAATGAAGCATAGTCAGCCGAATGATACA
GCAATAGCTTGTTTACAACGTGTTCTTTTTTACATTATGAACGTGCCTTGCTTTTTTATAC
ACACATGGAGACAGAGGTCCTCAGCCCTTGTCACGACAACTCCCTTTTTCTAAACCGTA
TGTGCTCCAAACCGTATCTCCTCATCGTCACGTGAAATACCATGGGACCCCTTTTCGTCA
CACACGTCTTTCCGCTTACCCAACGCGTCAGCCC GCGCTCGGCAGAGCTACCATATAAAA
ACGCAGGGGTTTAGCAGCTTCCCCAGATCGCTGCTGCCCGGCGTTCTCCAGAAGCCCCG
GCGGGCGAATCGGCCGGCTGGTGGTCGGTCGGCGCTCGGACGGATGGGGAGAACGGCGGTGAC
>EP11178 (+) HSV-1 b' 82K AlkExo; range -499 to 100.

TCGCGGGCGTGGGTGCCCCAGGAGATAGCGGAATGTCTGGGGTCGGAGGCCCTGAGGCG
TCAGAAAGTGCCGGCGACGCGGCCCGGGGCTTTTCGTCTGCGGTGTCGGTGGCGTGCTGA
TCACGTGGGGGTTAACGGGCGAATGGGAGCTCGGGTCCACAGCTGATGTCGTCTGGGGT
GGGGGGGCGAGGGGACGGAAGGTGGTTGTACGCGGAAGACTGTTAGGGCGGGGGCGCTTG
GGGGGGCTGTGGGGCCACGAGGGGTGTCTCGGCCAGGGCCCAGGGACGCTTAGTCACG
GTGCGTCCCGCGGACATGCTGGGCCTACCGTGGACTCCATTTCCGAGACGACGTGGGGG
GAGCGGTGGTTGAGCGCGCCCGGGGTGAACGCTGATTCTACGACAGCGCGTGCCGCGC
GCACGGGTGGTGTGACACAGGCGGGACACCAGCACCAGGAGAGGCTTAAGCTCGGGAGG
CAGCGCCACCGACGACAGTATCGCCTTGTGTGTGTGCTGGTAATTTATACACCGATCCGT
AAACGCGCGCGGAATCTTGGGATTGCGGAGGTGGCGCCGATGCCCTCTGGGACGTCATA
>EP11179 (+) HSV-1 b' 42K; range -499 to 100.

GCTGGACAAGGATCGCCCCGATCCCCACTGACTCATCTTCCTGTTAGGGACGATGGGCC
CCCCCAGAAGGGTCTGTGGGGCGGGCCTGTTGTTGTCTTGCTCGTCGCTTAGCGGCGG
GAGACGCGGGGCCGCGCGGGGAGCCGCCCGGCGAGGAGGGCGGGCGCGATGGGATCGGGG
GCGCGCGGTGCGAGACCCAAACACTGGCCAAATGTCTGCCCGGGGGCCCTGGTGCCCT
TTTATGTAGGCATGGCCTCGATGGGCGTGTGTATTATCGCACACGTCTGTCAGATCTGCC
AGAGGCTACTGGCTGCCGGGCACGCCTGAACCCGCCCTGTGTGGGGTGAGGGGTGGGGT
GGAGGGTGTCCAGGACTTCCCTTCTCGCGGAAACCGAGACCGTTTGGGGCGTGTCTG
TTTCTTGGCCCTGGGATTGGTTAGACCCATGGGTTGTGGTTATATGCACTTCTCTATAA
GACTCTCCCCACCGCCACAGAGGGCCACTCACGCATCCCCAGTGGGTTTTGCGGACCC
TCTCTTCTCTCCGGGCGGCCCTATCGCTCGACCTCTCCACACTGCACCACCCCCGCC
>EP11180 (+) HSV-1 b' 39K dUTPase; range -499 to 100.

GACGGGGTGTAGTACAGATCCTCGTACTCATCGCGGGAACCTCCCGCGGACCCGACTTC
ACGGAGCGGCGAGAGGTTCATGGTTCCACGAACACGCTAGGGTCGGATGCGCGGACAATTA
GGCCTGGGTTTCGGACGGCGGGGGTGGTGCAGGTGTGGAGAGGTGAGCGATAGGGGCGGC
CCGGGAGAGAAGAGAGGGTCCGCAAAACCCACTGGGGATGCGTGAGTGGCCCTCTGTGGG
CGGTGGGGGAGAGTCTTATAGGAAGTGCATATAACCACAACCCATGGGTCTAACCAATCC
CCAGGGGGCAAGAAACAGACACGCCCCAAACGGTCTCGGTTTCCGCGAGGAAGGGGAAGT
CCTGGGACACCTTCCACCCCCACCCCTACCCACACAGGGCGGGTTCAGGCGTGCCCGG
CAGCCAGTAGCCTCTGGCAGATCTGACAGACGTGTGCGATAATACACACGCCCATCGAGG
CCATGCCTACATAAAAGGGACACAGGGCCCCCGGGGCGAGACATTTGGCCAGTGTTTTGGG
TCTCGCACCGCGCGCCCCGATCCCATCGCGCCCGCCCTCTCGCCGGGCGGCTCCCCGC
>EP07132 (+) HSV-1 b' 33K; range -499 to 100.

TTCGTGCCTTCCCGCAGGAGGAACGTCTCGTCGAGGCGACCGGCGGCGACCGTTGCGTG
GACCGCTTCTCTGCTCGTCGGGGGGGAGCATGTCTGGGCCCTGGAAATGGCGGACACCTT
CCTGGACACCATGCGGGTTGGGCCCCAGGACGTACGCCGACGTACGCGATGAGATCAATAA
AAGGGGGCGTGAGGACCGGGAGGCGGCCAGAACCGCGTGCACGACCCGAGCGTCCCTT
GCTGCGCTCTCCCGGGCTGTGCCCCAAATCGCCCCAACGCATCCTTGGGTGTGGCACA
TCGAAGAACCGCGGGACCGTGACCGACAGTCCCCGTAATCCGGTAACCCGTTGAGTCCC
GGGTACGACCATCACCCGAGTCTCTGGGCGGAGGGTGGTTCCCCCGTGCGCTCTCGAGA
TGAGCCAGACCAACCCCCGCCCCAGTTGGGCCGGGCGACCCAGATGTTTACTTAAAAG
GCGTGCCGTCCGCCGGCATGCACCCAGAGGTGTTACGCACCTCGAGGACACCCGCGCA
TGATCTCCGACCCCCGCAACGGGGTGATAATGATCAAGCGGCGGGGCAATGTGGAGATT
>EP07133 (+) HSV-1 b' 21K; range -499 to 100.

CGGGGGGGAAGACCCGCCACCCACCCACGAAACACAGGGGACGCACCCCGGGGGCCT
CCGACGACAGAAACCCACCGTCCGCTTTTTTGACGGGTAAGCACCTTGGGTGGGCGG
AGGAGGGGGGACGCGGGGGTGGAGGAGGGGGACGCGGGGGCGGAGGAGGGGGACGCG
GGGGCGGAGGAGGGGGACGCGGGGGCGGAGGAGGGGGACGCGGGGGCGGAGGAGGGGG
GACGCGGGGGCGGAGGAGGGGGACGCGGGGGCGGAGGAGGGGGCTACCCGCGTTCTGTG
CCTTCCCGCAGGAGGAACGTCTCGTCGAGGCGACCGGCGGCGACCGTTGCGTGGACCGC
TTCTGCTCGTCGGGGGGGAGCATGTCTGGGCCCTGGAAATGGCGGACACCTTCTGGA

794/812

TGCGAACGCTTCGCGTTCTCACTTTTTTTATAATAGCGGCCACGCCACCGGCTGATGAC
GCGCGGGGCGTGGGAGGGGCTGGGGCGGACCGGCACGCCCCAGGTAAAGTGACATATA
CCAACCGCATACCAGACGCACCCGACCCGAGCACCTGACCGTAAGCATCTGTGCCTCTC
GCAGGGACCCCGCGTTGCCGCGCGCGGGGTTTCATCGGCGACCCCGTGTTACCCGGGGG
>EP27001 (+) HSV-1 b' gB 3.3 kb; range -499 to 100.
AGAAGATGCTGCGGGTCAGCGTCCACGGCGAGGTGCTGCCCCGACGTTTCCCGCGGTGC
CCAACGGCTTTGCGGCGCGCGCGCTTCTGCGCCTGACGGCGGGCGCGGGCACGGTCA
TCGACAACCGCTCGGCGCCGGGCGTGTTCGACGCGCACCGGTTTCATGCGAGCGTCTCTCC
TGCGACACCAGGTGGACCCGGCCCTGCTCCCCAGCATACCCATCGCTTCTTCGAGCTCG
TCAACGGGCCCTCTTTGATCACTCCACCCACAGCTTCGCCCAGCCCCCAACACCGCGC
TGTATTACAGCGTCGAGAAGCTGGGGCTCCTGCCGCACCTGAAGGAGGAGCTCGCCCGGT
TCATCATGGGGGCGGGGGGCTCGGGTGCTGATTGGGCCGTGACGGAATTTAGAGGTTTT
ACTGTTTTGACGGCATTTCGGAATAACGCCCACTCAGCGCGCCGCTGGCGATATATTC
GCGAGCTGATTATCGCCACCACACTCTTTGCCTCGGTCTACCGGTGCGGGGAGCTCGAGT
TGCGCCGCGCGGACTGCAGCCGCGGACCTCCGAAGTTCGTTACCGTTACCCGCCCGGCG
>EP11183 (+) HSV-1 b' gD; range -499 to 100.
GCACGCCCCAGTGTCCCTCACCCAGCCCCCTGGGGGGCTTTGCCGTCCCCCTCGTAGT
CGGTGGGCTGTGCGCGTAGTCTGGGGGCGGCATGTCTGCTTGAGCTCCTGCGTCGTAC
GTGCCGCGGGTGGGGGCGTTACCATCCCTACATGGACCCAGTTGTCTGTATAATTTCCCC
CCCCCCCCCTTCTCCGCGTGGGTGATGTGCGGTCCAACTCCCGACACCACAGCTGGC
ATGGTATAAATCACCGGTGCGCCCCCAACCATGTCCGGCAGGGGGATGGGGGGCAAT
GCGGAGGGCACCAACAACACCGGGCTAACAGGAAATCCGTGGCCCCGGCCCCAATAA
AGATCGCGGTAGCCCGCGGTGTGACACTATCGTCCATACCGACCACACCGACGAATCCC
CCAAGGGGGAGGGGCCATTTACGAGGAGGAGGGGTATAACAAAGTCTGTCTTTAAAAAG
CAGGGGTTAGGGAGTTGTTGCGTCATAAGCTTCAGCGCGAACGACCAACTACCCGATCA
TCAGTTATCCTTAAGGTCTCTTTGTGTGTTGCGTTCGGTATGGGGGGGCTGCCGCCA
>EP17104 (-) HSV-2 b' gD; range -499 to 100.
GGGGGGCTGTGTCTCATGATTCTGGGGATGGCGTGTCTACTCGAGGTCTGCGTCGCGTG
GGTCGCGAGTTGGCGAGGTGCTGCCCCACGCGGGGCAATTTGCCCATGATTTTCGCC
TTTCTGGCCTTGCCCCACCCCATCGCCCCGATTGTGTGTCGGGTGCCCGGGGTACAGCA
GCTATGGAGCGGTGCGTAATAAATTTGGTTGTGCCACACGCCCCGTGCCGGGCATGG
GTTGTGCGGAAGGACGAAATAATCCGGCGATCCCAAGCGTACCAACTGGGGGGGGGG
GGGGGGGAAAGAACTAAAAACACATCAAGCCCAACCCCATCCCAATGGGGGTTA
TGCGCGACCCACCGCACCATCACTCCGATTTCGACCACATATGCAACCAATCACCCCC
AGAGGGGAGGTTCCATTTTACGAGGAGGAGGAGTATAATAGAGTCTTTGTGTTAAAC
CCGGGGTGGTGTGTTGTTGTCATAGCTGCATTGCGAACGACTAGTCGCGTTTTTC
GTGTGCATCGCGTATCACGGCATGGGGCTTTGACCTCCGGCGTGGGACGGCGCCCTG
>EP17105 (+) HSV-1 b' gE; range -499 to 100.
ACACAGATGTCAACGCGCTACCGACGCTCCCGTCGCCGATTTACAGCCCCAGATGCC
CACGGGCATCTCATGCGCGTGAACGAAGCGGCCATGGCCCGCTCGGAGCCGAGCTCAA
ATCGCATCCGAGCACCCCCCAATCCCGCGCGCGGTCTGTCACGCACCCAATGCCCTC
CCTGACGGCCATCGCCGAAGAGTTCGGAGCCGCTGGGGCGGCTGGGCTTCGACGCCCCC
CGTGGACCCACGACCCACCCCAACGCCCTCCCCTGTTGGTATAGGTCCACGGCCACTG
GCCGGGAGCACCAATAACCGACCGCAGTCCCTGAGTTGGGAATAAACCGGTATTATTTA
CCTATATCCGTGTATGTCGATTTCTTTCCCCCTCCCCGAAACCAAGAAGGAAGCAA
AGAATGGATGGGAGGAGTTCAGGAAGCCGGGGAGAGGGCCCGCGGCGCATTTAAGGCGTT
GTTGTGTTGACTTTGCCTCTTCTGGCGGGTTGGTGCGGTGCTGTTTGTGGGCTCCATT
TTACCCGAAGATCGGCTGCTATCCCCGGGACATGGATCGCGGGCGGTGGTGGGTTTCT
>EP17106 (+) HSV-1 b' ICP 18.5; range -499 to 100.
CCAGTAGCGTGTTCGTGGCGACCGTGAAAAGCCTGGGGCCCCGCACCCAGCAGTGCAGA
TCGAGGACTGGCTGGCGCTCTTGAGGACGAGTACCTAAGCGAGGAGATGATGGAGCTGA
CCGCGCGTGCCCTGGAGCGCGGCAACGGCGAGTGGTCGACGGACGCGGCCCTGGAGGTGG
CGCACGAGGCCGAGGCCCTAGTCAGCCAACTCGGCAACGCGGGGAGGTGTTAACTTTG
GGGATTTTGGCTGCGAGGACGACAACGCGACGCGTTCGCGGGCCGGGGGCCCCGGGAC
CGGCATTTGCCGGCCGAAACGGGCGTTCCACGGGGATGACCCGTTTGGGGAGGGGGCCCC
CCGACAAAAGGGAGACCTGACGTTGGATATGCTGTGAGGGGTTGGGGGTGGGGGAACC
TAGGGCGGGGCGGGGAATGTGTGTAATAAATTATTGCTACGACATCCGTGCTTGTGTTG
TGTTCCGTGTCTATATCTCTGGGCGGGCCGTGATTCTCTCCGCGGTGTCTGGGAATAGA
GCAGAAACGCACGCGCCGCGGACTCCCGGCTTGCCGGTGGCGGGCCCGGGAGGCCGC
>EP17107 (+) HSV-1[U-S] b' tr-4; range -499 to 100.
CCCTTCCCCTACGGAATCGCCGGAACCATCGACACCAACGCCCCGAGGTCTGGCCGGG
GATCCGTATACCACGACCGTCGACATTTGGAGCGCGGTCTGGTGATCTTCGAGACTGCC
GTCCACAACGCGTCTTGTCTCGGCCCCCGCGGCCCAAAAGGGGCCCGTGCACAGT
CAGATCACCCGATCATCCGACAGGCCAGGTCCACGTTGACGAGTTTCCCCGCATCCA
GAATCGCGCCTCACCTCGCGCTACCGCTCCCGCGCGGGCCGGGAACAATCGCCCGCGTAC

ACCCGACCGCCTGGACCCGCTACTACAAGATGGACATAGACGTGCAATATCTGGTTTGC
AAAGCCCTCACCTTCGACGGCGCGCTTCGCCCCAGCGCCGAGAGCTGCTTTGTTTGCCG
CTGTTTCAACAGAAATGACCGCCCCCTGGGGGCGGTGCTGTTTGCGGGTTGGCACAAAAA
GACCCCGATCCGCGTCTGTGGTGTGTTTTGGCATCATGTGCGAGGGCGCCATGCGTGCCGT
TGTTCCCATATCCCATTCCTTTTGTTCTTGTGCGGTGATCGGGGGTCCCACCAACGT
>EP17108 (+) HSV-1[U-S] b' tr-9; range -499 to 100.

GATCCGGCTTTGAGATCTTATACCAACGGCTCCGTCTGTATACCCCGTAGCGATGGGC
ATCAATCTCGCCGCCAGCTCACAACTTTGGATCCGGAAGGCCCGATCGCCGTTACTCCC
AGGCTCCGATTCGTCCGTCTTCTGGTAAGGCGCCCCATCCCGAGGGCCACGTGCGTCG
CCGAACTGGGCGACCGCCGGCGAGGTGGACGTCGGAGACGAGCTAATCGCGATTTCCGAC
GAACGCGGACCCCCCGACATGACCGCCCCCCCCCTCGCCACGTGACCGCGCCCTCGCCA
CACCCGCGACCCCCGGGCTACACGGCCGTGTCTCCCGATGGCCCTCCAGGCTGTGCGAC
GCCCCCTCCCTGTTTGTGCGCTGGCTGGCCGCTCGGTGGCTCCGGGGGGCTTCGGCCGTG
GGGGCCGTCTGTGTGGGATTGCGTGGTATGTGACGTCAATTGCCCGAGGCGCATAAAGG
GCCGGTGGTCCGCTAGCCGAGCAAATAAAAATCGTGAGTCACAGCGACCGCAACTTC
CCACCCGAGCTTTCTCCGGCCTCGATGACGTCCCGGCTCTCCGATCCCAACTCCTCAG
>EP17109 (+) HSV-1 b'g' VP5; range -499 to 100.

GAAGCCGTTGGAGATGGTGGCAGCGGGCATGTATTACGGGCTGACCGGAAGGGTGGTGGC
GCCGGCCTGTATCCTGGCCGCCATCGTCGGCTACTACGTTACGTGGGCGGTGCGGGCGCT
CCTCCTGTACGTTAACATCAAGAGGGATCGTCTGCCGTTGTGCGCGCCCGTGTGTTTGGGG
GATGTCCGTGTTTTGGGAGGACGCGCCCTGTGTGCTTGTTCGCCGCCGCCACGAGAC
CTTCAGTCCGGACGGGCTTTTCACTTTATCGCCACCAACCAATGCTGCCGCCACCGA
TCCCTGCGCACACGGGCCCTGGGGATAGCCTGCGCGGCCGGGGCCTCGATGTGGGTGGC
GGCGGCGGACAGCTTTGCCGCTCTGCCAATTTCTTCTTGGCACGCTTTTGGACCAGGGC
CATCTTGAATGACCCGTCGCGTTCTAACGGGGGTGGGGCGGGGGGGGGGTATATAAGG
CCTGGGATCCACGTCCCGGGTCTGTTGGGGACACTGGGTCTCCTGGAACGAGGCCGC
AGCCTTCTCCCGGTGCCTTTCCCCCCCCGACCGGCACCCGGCCTCTCACACAGCATCCCC
>EP11184 (+) HSV-1 b'g' 2.1 kb; range -499 to 100.

CAGAGGGCATCCGGCGCCACCTCCGCAATCCCAAGATTCCGGCGCGCTTTACGGATCGGT
GTATAAATTACCAGCACACACAAGGCGATACTGTCGTGCGGTGGCGCTGCCTCCCGAGC
TTAAGCCTCTCCTGGTGTGGTGTCCCGCTGTGTACACCAACCCGTGCGCGCGGCACG
CGCTGTGTCGAGAATCAGCGTTACCCGGCGGCGCGCTCAACCACCGCTCCCCCACGTC
GTCTCGGAAATGGAGTCCACGGTAGGCCAGCATGTCCGCCGGGACGCACCGTGACTAAG
CGTCCCTGGGCCCTGGCCGAGGACACCCCTCGTGCCCGGACAGCCCCCAAGCGCCCC
CGCCCTAACAGTCTTCCGCTGACAACACCTTCCGTCCCTGCCCCCCCCACCCAGACG
ACATCAGCTGTGGACCCGAGCTCCCATTCGCCGTTAACCCCCACGTGATCAGCACGCC
ACCGACACCGCAGACGAAAAGCCCCGGGCCGCGTCGCCGGCACTTTCTGACGCTCAGGG
CCTCCGACCCAGACATTCCGCTATCTCCTGGGGGACCCACGCCCCGCGACCCGGACGCC
>EP11185 (+) HSV-1 b'g' a'TIF/VSP; range -499 to 100.

CATGCCCGGATGGCGGCGTCCAGCTCTGGGACATGTGCGTCCGCGCACAGACGAAGAC
CTAACGAACTCCTTGGCATACCACCATCCGCGTGACGGTCTGCGAGGGCAAAAACCTG
CTTCAGCGCGCCAACGAGTTGGTGAATCCAGACGTGGTGACGAGCGTCGACGCGGCCACG
GCGACTCGAGGGCGTTCTGCGGCGTCGCGCCCCACCGAGCGACCTCGAGCCCCAGCCCGC
TCCGCTTCTCGCCCCAGACGGCCCGTCGAGTGAAAATTCCGTACCCAGACAATAAAGCA
CCAACAGGGGTTCAATCGGTGTTGGCGTTGCGTGCCTTTGTTTCCCAATCCGACGGGGAC
CGGGACTGGGTGGCGGGGGGTGGGTGGACAGCCGCCCTCGGTTGCGCTTACGTGACAG
GAGCCAATGTGGGGGAAGTACGAGGTACGGGGCGGCCGTGCGGGTTGCTTAAATGCG
TGGTGGCGACACGGGCTGTCAATCTCGGGAACGGACGGGGTTCCCGCTGCCACTTCC
CCCCATAAGTCCGTCCGTCCTCTAACGCGTTTGGGGGTTTTCTCTTCCCGCGCCGTG
>EP16085 (+) HSV-1 b'g' 2.7 kb; range -499 to 100.

GTCGTCCTGACGCGCTGCTGGGCTTTGCCGACACCGTGGTGGCGTGCGTGACACTGGC
CGCGTTTGACGGGGGATTACGGCCCCGAGGTGGGCACGTACACCCCTGCGCTACGC
GTGCGTCTCCGAGCGACCCAGCCCTGTACGCGCGCACCAACCCCGCAAGTTCTGGGC
GGACGTCCGCGCGGCCGCGGAGCACGTGGATCTGCGCCCCGCTCTCAGCGCCCCGGGC
CCCCGTGTCCGGGACGGCAGACCCCGCCTTTCTTCTCAAGGACCTGGAGCCCTTCCCCC
CGCCCCCGTAAGCGGCGGGTCCGTGTTGGGCCCGGGTCCGCGTGGTGGACATCATGTC
CCAGTTTAGGAACTGCTGATGGGAGACGAGGGGGCCGCCCTGCGGGCGCACGTGTC
GGGGAGGCGCGGACCGGGTGGGAGGCCCGCCACGCCATAAGCTCCTCCCGATAAAAA
GCGCCCCGATGGCCCTGGACGCGGCATAACTCCGACCGGCGGGTCCCGACCGAACGGGCG
TCACCATGACGCGCGGACGCGCGGCGGAGCTCCCTGCGGCTGGCGCGGTGCTGACGC
>EP24041 (+) HCMV 1.65 kb/UL36; range -499 to 100.

CTACTTCTTCAGAAAACACTACCACCGTGATGTCAACACTGACGAAATACGCGGAAAGTG
ATTATATCTTTACAAGACATGTGCCCCGATTTCTCAAGAGGACCGTTAAGCTCACGA
GAAACAAAACAAAACATAACGTGACAGTTACGGGAAATAACATGACAACGCTTCCCGTCT
GGACACCGGAATGCAAAGGATGGACGTACTGGACCACGTTGTCCGTATGTGGAGAAACC

GCCGTTTCGGCTCTCCTCCGAGCCAAAAGTCGCGCCTTGGGACACTGGGCGTTGTTGAGCA
TATGTACTGTGGCGGCGGACGATCGCGTTGCTCAGCCTCTTTTGATCCTCCTCATCG
GACTTCGTCGCGATTTGCTTGAAGATTTCCGCTACATTTGTCGGGACGAGGGAAGTTCCA
GCACAAAAACGACGTTTCATCGGATCGTCTGACGTCAACGCTGATAGTGTCTATAAAGGC
CGTGCCGCCGCGCGTAGTTCTCCGAAGGCGGACGGAGGAGTCTGTGACCGCAGCGGTG
GCTGGAGAAGCGCAGCGTCGGCGAGCGAAGGTAGAGGAGTCCGTCATGGACGACCTACGG
>EP15058 (+) HCMV g' pp65; range -499 to 100.

TTATCTCGTCAAAGCATACGCTGAATCGGGGTTGCCTGTCAGCAATGACGCACCAAGTCA
AATCCACGCTACACTCGCGGTCCACATCCCATTGCGCGTCGCAACAGCAGCTCTCGGTGC
TGGGCGCTTCCATCGCGCTGGAGGACCTGCTGCCCATGCGACTGGCGTCCCCGGAGACGG
AACCGCAAGACTGTAAGCTTACGGAAAATACGACAGAGAAGACGAGTCCTGTCACTTTAG
CCATGGTCTGCGGCGATCTCTAAACAGAGGACCCTGATAATGGGAAACGGACACTAGGCG
TCCGCGCCATACGGGATTAACAAAAAATCGGTGGTGGTGTGTGATGGGGTGTGGT
GACGGTGGGGCTTCGCCTCTTTTTTTTGAATAAAAAAGACACTCAATAATCCGCGGTT
GTCTCTGTGTAGAAGCTTTTTATTTTCGGGTTCCGCGTTTGGTGCCTGCCTATGTAAGGC
GGCGGCCGAGAGGGCGCGCCGCTCAGTCGCCTACACCCGTACGCGCAGGCAGCATGGAG
TCGCGCGGTGCGCGTTGTCGCGAAATGATATCCGTAAGTGGTCCCATTTCGGGACACGTG
>EP15059 (+) HCMV g' pp71; range -499 to 100.

CAGCATCCTCGCGACGGCGTGACGTCGGGCGTTATGACACGCGGCCGCTTAAGGCCG
AGTCCACCGTCGCGCCCGAAGAGGACACCGACGAGGATCCGACAACGAAATCCACAATC
CGGCCGTGTTACCTGGCCGCCCTGGCAGGCCGGCATCTGGCCCGCAACCTGGTGGCCA
TGGTGGCTACGGTTCAGGGTCAGAATCTGAAGTACCAGGAATCTTCTGGGACGCCAACG
ACATCTACCGCATCTTCGCCGAATTGGAAGGCGTATGGCAGCCCGCTGCGCAACCCAAAC
GTCGCCGCCACCGCAAGACGCTTGGCCGGGCCATGCATGCCTCGACGCCCAAAAGC
ACCGAGGTTGAGCCACCCGCCGACGCGCTTAGGACGACTCTATAAAACCCACGTCCAC
TCAGACACGCAACTTTTGGCCGCCACACCTGTCACCGCTGCTATATTTGCGACAGTTGCC
GGAACCTTCCCGACCTCCACGAAGACCCGTTACCTTTGCGCATCCCTGACCCTCCC
CCCATCCCGCCTTCGAATGTCTCAGGCATCGTCCTCGCCCGGTGAGGGACCCCTCGTCGG
>EP16086 (+) HCMV g' pp150; range -499 to 100.

CGTTTATGAAGGACGCGATAACGATCGGCGGCGATCAGAGCTACGGTGGCAAAGCCCACT
GTGCAGCTTGAGTAGTAGATACCGATAGAAATTTACACGAGGCCACGCCGGCCGGCAAC
AGCCACTGGTTGCTGAGTACGATAAAGGGTAGCACAGTAAGCGTGAGAAAATTAGTAGAG
TAGAGGTTGGTCATGATAAATGGTGGCGTCAATAGCCAAGCACGCGATTTCGTGAGCAGC
TGCGTGATCAACACTATGGCGTTAAGTGGACGCCACGAAAGATGATGAATGTGTTGAGT
ACGGCTTCGGTGGTTTGAATGGCGAATAGCGGCCCTGTATGTTGCAAGTGTCAATTGATG
TGCGGAGGAGTGTTGTTGCGGGTCTGGGCGGAACAGCACACGGGGCGAAAAACAGAAGA
AACAGTACGCGGCGCTTAAAGAAAACCGCGTATCCGCCTCCGCTATTAACTACCCCC
CCTCCCTCTAGGTGGGGCGCTCACCGAGTTGTGGATGATGGTGTCCATCGTGGGCGAATA
GCAGACCGCGGGCGCAGTCCGGGGCGACGACGCTTCGGGTTCTGGAGAAAAGCCAGCAT
>EP11186 (+) HSV-1 g' 5 kb; range -499 to 100.

AGCTCCACTTAGACGGCGAGGACGTGGCGATGGCGCATGCCGACGCGTAGACGATTTGCG
ATCTGGACATGTTGGGGGACGGGGATTCCCGGGGCCGGGATTTACCCCCACGACTCCG
CCCCCTACGGCGCTCTGGATATGGCCGACTTCGAGTTTGAGCAGATGTTTACCGATGCCC
TTGGAATTGACGAGTACGGTGGGTAGGGGGCGCGACCGGACCCGCATCCCCCGTCTGGGT
TTTCCCTCCCGTCACCGGTTCTGATCCACAATAAACACGAGCACATACATTACAAAACC
TGCGGTTGTCTGCTGATTATTTGGTGGTGGGGGAAAGAACTAGCCAGGAGACGGGACCGC
GCAACCAACCACTGGGGTCTGGGTGCGGCGGTGTGTGTTAGCCGCGTCTGCGGGCCTG
TCGTGTAGATTGAAACACGGACGGGTGATTGTGTGCGAGGGCGGCCCGCGTATAAAGG
CGAGAGCGCGGGACCGTTTCCGCAATTTGGCCGGGGGTGGGGCGGGCGGTAGCCTTCGCG
GGAGATACTGCGTTTTTTTTGCGCCCGCCCGTCTCCGTTCCATCCCATCGCGAGGGG
>EP11187 (+) HSV-1 g' gC; range -499 to 100.

GGGCCCCGGGCTGCGGCTGTGGCCCCAGGTGTTTCTCGGAGGCCATGTGGCGGTGGCCCT
GACGGAGCTGTGTACGGCGCTTCCGCCCTGGGACCTTACGGACCCGCTGCTGTTTGTTC
CGCCGGACTGCAGGTATCAACCTCGGGTTGGTGTTCGGTTTTCCGAGGTTGTCTGTGA
TGCGGCGCTAGGGGGTGCCGTGTGGATTTCTGTTGGCGAGGTGCTGGGGCTCCGGCGTCG
CCTGCACAGGAAGGACCCCGGGACGGGGCCCGTTGGCGGCGACGCTTCGGGGCTCTT
CTTCTCCGTGTACGCGCTGGGGTTTGGGGTGGGGGTGCTGCTGTGCCCTCCGGGGTCAAC
GGGCGGGCGGTGCGGCGATTGATATATTTTCAATAAAAGGCATTAGTCCCGAAGACCGC
CGGTGTGTGATGATTTCCGCATAACACCCAAACCCCGGATGGGGCCCGGGTATAAATTCC
GGAAGGGGACACGGGTACCTCACTATCGAGGGCGCTTGGTGGGAGGCCGATCGAAC
GCACACCCCATCCGGTGGTCCGTGTGGAGGTCGTTTTCATGCCCGGTCTCGCTTGGCCG
>EP11188 (+) HSV-2 g' gC; range -499 to 100.

TGTTTGTGCGGGGCCACGCGGCGGGGCTGACGGAGCTGTGTGAGACCTCGCGCCCC
GGGACCTCACGGACCCGCTGCTGTTTGCCTACGTCGGATTCCAGGTCGTGAACCACGGGC
TGATGTTTGTGGTCCCCGACATCGCCGTATACGCGATGCTGGGGGGCGCCGTGTGGATCT

CGTGACGCAGGTGCTTGGGCTCCGGCGCCGCTTCACAAGGACCCAGACGCCGGGCCCT
GGGCGGCCGCGACCCTGCGGGGCTCTTTTCTCCGTCTACGCATTGGGGTTTGGCGCGG
GGGTGCTGGTGC GGCGCGGATGGCGGCGAGCCGGCGGTGGGGTGATCGCCATTTCAA
TAAAAGGCACCAAGTTCCCGAATACCACGGCGTGTGATGATTTGCCCTACCGTCCGA
TCCCCGGGGGAGGGGGGAAGAAATGGGGGCGGGGTGCCGTGGACGGGTATAAAGGCC
AGGGGGGCACGCGGGCCCATCTGTTAGGGTGTAGGTTGGGAGGTGGCAGAAAAAGCG
ACACACCCGTGTTGTAGTTGTCCGCGGGAGGCGGTGTTTCCGGCAACCCTCCTCGCTGC
>EP23002 (+) HSV-1 g' gH; range -499 to 100.

GCTTGCCAATACGGTGC GTATCTGCAGGGCGGGCGGTCTGTGGCGGGAGGATTGGGGACA
GCTTTTCGGGGGCGGCCGTGCCGCCCCAGGGTGCCGAGCCCCAGAGCAACGCGGGCCACG
ACCCCATATCGGGGACACGTTATTTACCCTGTTTCGGGGCCCCGAGTTGCTGGCCCCCAA
CGGCGACCTGTATAACGTGTTTGCTGGGCTTTGGACGTCTTGCCAAACGCCTCCGTCC
CATGCATGTCTTTATCCTGGATTACGACCAATCGCCGCGCGGTGCCGGGACGCCCTGCT
GCAACTTACCTCCGGGATGGTCCAGACCACGTCAACACCCAGGCTCCATACCGACGAT
CTGCGACCTGGCGCGCACGTTTGCCCGGGAGATGGGGGAGGCTAACTGAAACACGGAAGG
AGACAATACCGGAAGGAACCCGCGCTATGACGGCAATAAAAAGACAGAATAAAACGCACG
GGTGTTGGGTGCTTTGTTTATAAAGCGGGGTTTCGGTCCAGGCTGGCACTCTGTGCTGAT
ACCCACCGAGACCCCATTTGGGACCAATACGCCCGCGTTTCTTCTTTTCCCCACCCCAA
>EP11189 (+) HSV-1 g' 42K; range -499 to 100.

TCTCGTACGCCGTCCCCGTGTTCCGTCTGAACCGGCGTCAGCTCGCCGGCATAGACGAGG
GACCGCCCTCGGCGTGC GGCGCGGTAGGGCCGTAGTCACGCTTGGGGCCCCGAGCGCCCC
TCCAACCAAGGATCTTCGCGTATCCCGGCCCGGTTGGAGGGGGGGGCGCCAGTTGCGGG
AACTGCCGACGGGAAATCGGCTCGGTGAGGGCCGGGGGGGTGCCAGGATGTCCAGGAAC
GTCACGTGACCCGCGAGGGTCCCGGGGGCAAATTCGCGCTCTTTTAGGCGCTACGACC
ACGGCCATAACGGTTCCGCGGTACCCCGAGTCGATAAGACCCAGTATTACGTGGTGCCCG
GGGCTGGCTAGCGCGGGGGCGTGAATAATCGCGCAAAAGTCAGCCGGCATAGCCATTGCG
AGGTCCAGAGAGACGCGCCCGACGGCCCATCCGGAGTCCCCGCTAACCTTCGGCATAAAA
GCCACCGCGCGCTGTTGACCAGGTTCAAGTTGCACGACTCCGCCCCCGCGAGTAGCGACG
GCCGTGTGCCAGTCGCCATCGTACCCCGACCCAAGCTGTCCGGCTGGACAAGGATCGCC
>EP26013 (+) HSV-1 Ori_s ORF; range -499 to 100.

GCTGTATCGGATTCTACCTCAGACTCCGATGAGAGGGGGCGGGAAGGGCGCTTGCCTTG
CGCGTGCCAGGGGCGGGGATCGGAGAGCGGGACGCCGCGCTTTTACACAAGGCGCAAAA
CGCGCTGGGGAAATGTCGGCATCCAGAAAACGTCCCGGAGGACCAAGTGGCTTCCCC
CGCCCGACGAGCAGGAAGCGGTCCACGCAACGGTCGCGCGCGGTGCGCTCGACGAGGACG
TTCCTCCTGCGGGAAGGCACGAACGCGGGTGAGCCCCCTCCTCCGCCCCCGCGTCCCCC
TCTCCGCCCCCGCGTCCCCCTCCTCCGCCCCCGCGTCCCCCTCCTCCGCCCCCGCGT
CCCCCTCCTCCGCCCCCGCGTCCCCCTCCTCCGCCCCCGCGTCCCCCTCCTCCGCCCCCGCGT
AAAAAAGGCGGACCGGTGGGTTTCTGTCTGCGAGGCCCGGGGTGCGTCCCTGTGTT
TCGTGGGTGGGTGGGCGGGTCTTTCCCCCGCGTCCGCGTGTCCCTTTCGATGCGAT
CCCGATCCCGAGCCGGGGCGTGCATGCCGACGCCGTCCGCTCCGACGGCCCTCTGCGA
>EP11190 (+) HSV-1 18K; range -499 to 100.

TCCGCATTGTGTCTGCACGGCGCGGTGCGTCCCCGAGGGCGTGACGTTTGCTGGTTCC
TGGGGGACGACCCCTACCGGCGGCTAAGTCGGCCGTTACGGCCAGGAGTCGTGCGACC
ACCCCGGGGTGGCTACGGTCCGGTCCACCTGCCCATTTCGTACGACTACAGCGAGTACA
TCTGTGCGTTGACCGGATATCCGGCCGGGATTCGCTTCTAGAACACCACGGCAGTCACC
AGCCCCACCCAGGGACCCACCGAGCGGCAGGTGATCGAGGCGATCGAGTGGGTGGGGA
TTGGAATCGGGGTTCTCGCGGCGGGGTCTGCTCGTAACGGCAATCGGTACGTCGTCC
GCACATCACAGTCGCGGACGCGTCATCGGCGGTAAACGCAAGACCCCCCGTTACCTTTT
AATATCTATATAGTTTGGTCCCCCTCTATCCCCCCACCGCTGGGCGCTATAAAGCCGC
CACCTCTCTTCCCTCAGGTACCTTGGTTCGATCCCGAACGACACACGGCGTGGAGCAA
AACGCTCCCCCTGAGCGCTTCTACCAACACAACGGCATGCCTCTGCGGGCATCGGA
>EP11191 (+) HSV-2 18K; range -499 to 100.

CTGTGTGCCCGAGGGGGTGACGTTTGCCTGGTTCTGGGGGACGACTCCTCGCCGGCGGA
GAAGGTGGCCGTGCGTCCCAGACATCGTGGGGCGCCCGGCACCGCCACGATCCGCTC
CACCTGCCGTCTCGTACGAGCAGACCGAGTACATCTGCCGGCTGGCGGGATACCCGGA
CGGAATTCGGTCTAGAGCACCACGGCAGCCACCGCCCCGCGCGGGACCCACCGA
GCGGCAGGTGATCCGGGCGGTGGAGGGGCGGGGATCGGAGTGGCTGTCTTGTGCGGT
GGTTCTGGCCGGGACCGCGGTAGTGTACCTACCCACGCCCTCCTCGGTGCGCTATCGTCG
GCTGCGGTAACCTCCGGGGCGGGGCCCGGCCGCGGTGTCTTTTCCACCCCTTCCGT
CCCCCTACCCACACACCCACCCACCCCGCGTCCCCCGGGCGTTATAAGCCGC
CGCACTCGCTTTTCCACCGGAAATCCTCGGCCGATCCGAACGGCGCACGCCGCGTGG
GCTCAAACGCTCCGGAAGAGAGCGCCCCGCCCCGATATTCAAGCCCGCGGTGGTGCTA
>EP26014 (+) EBV[BamH1-Z] L1 1 kb; range -499 to 100.

AACCCCGAGGCAAGTCATCTGTTGGAGGACCCTGATGAAGAAACAGTCAGGCCGTGAA
GGCCCTAAGGGAGATGGCTGACACTGTTATTTCCCAAGAGGAGGAAGCAGCCATATGTGG

ACAGATGGACCTGAGCCACCCGCCCCCTCGTGGCCATTTGGACGAACCTGACCACAACACT
AGAGTCCATGACAGAGGATTTGAATCTGGACTCCCCCTGACCCCGAACTTAATGAAAT
CTTGATACATTTCTAAATGATGAATGTCTGCTGCATGCCATGCATATTTCAACTGGGCT
GTCTATTTTTGACACCAGCTTATTTAGACACTTCTGAAAACCTGCCTCCTCTTTTAG
AAACTATGCATGAGCCACAGGCATTGCTAATGTACCTCATAGACACACCTAAATTTAGCA
CGTCCCAAACCATGACATCACAGAGGAGGCTGGTGCCTTGGCTTTAAAGGGGAGATGTTA
GACAGGTAACCTACTAAACATTGCACCTTGCCGGCCACCTTTGCTATCTTTGCTGAAGAT
GATGGACCCAACTCGACTTCTGAAGATGTAAATTTACACCTGACCCATAACCAGGTGCC
>EP16087 (+) EBV[BamHI-N] R1 145K; range -499 to 100.

TTAGTTGAAGAAAACAAGCTATTGGATTGTAACACACATTTTACGCTTTGTTCTTAGAT
TTGTTCTGCATGTTATTACTGATTGTCGCTGGCATACTCTTCATTCTTGCTATCCTGACC
GAATGGGGCAGTGGAATAGAACATACGGTCCAGTTTTTATGTGCCTCGGTGGCCTGCTC
ACCATGGTAGCCGGCGCTGTGTGGCTGACGGTGATGTCTAACACGCTTTTGTCTGCCTGG
ATTCTTACAGCAGGATTCTGATTTTCTCATTGGTAAGTGTGACACCAACAGGTGTTGC
CTTGTTATGTCACCGTTCTGACACATGACTTACATGGGTTTGGCTTTTGTAGGCTTTGCC
CTCTTTGGGGTCATTAGATGCTGCCGCTACTGCTGCTACTACTGCCTTACACTGGAAAGT
GAGGAGCGCCCAACCCCATATGCAACACTGTATAAAGGTAAGTATTATTAATTTT
AGAGACACTATCACGTGTAACCTTGACGTGCAAGGATGGAAGAGAGGGGCAGGGAAACGCA
AATGCCGGTTGCCCGGTATGGGGGCCGTTTATTATGGTAAGGCTCTTCGGGCAAGATGG
>EP16088 (+) EBV[BamHI-C] R1 20K; range -499 to 100.

GCTAATGCCCTCTTGAGGGTCCGCTTATCGGTAGCTACACAGGCCCTCTGATTGACGTT
GGTGTAGCCTCCCGTAGTCTTCTGGGCCCTGGGAGGTACATGTCCCCCAGCATTGGTG
TAAGAGCTTCAGCCAAGAGTTACACATAAAGGCAATGTTGTGTTGCAGTCCACAGACTGC
AAAGTCTGCTCCAGGATGAAAGCCACTCAGTGTTGGCAAATGTGCACATCCATTTATAAG
GATGTCAACTACAGTCAGAGAACCCCTTTGTGTTTGGTCCCCCCCCGTGTCACATGTGGA
ACAGGGCCCAGTTGGCAAGTTGTACCAACCAACTGAAGGGATTACATGCACTGCCCCGCG
GGAATACGTCCTACCCAGGAACCCGAAACAGTGTTTCCAGAAGCTGTAAAAATAGAAC
GCCCTGGAAGTCCCCACTGTGCAATGCAGCTTTAGCCATGCCATGCTCTATAAATCAC
TTCCCTATCTCAGGTAGGCCGTCACACCTTAGGTATGGAGCGAAGGTTAGTGGTCACTCT
GCAGTGCCTGGTGCTGCTTACCTGGCACCTGAGTGTGGAGGTACAGACCAATGTGACAA
>EP07138 (+) EBV[DL/R]; range -499 to 100.

CTAGGTAAATAACCTATAGGTTATTCTACCATTAAACGGAAGGAGGAAGGGTGGCGCAC
CTTAAGGTAGGGTAGGGGGTAGCCAGTAGGAACCTAGCTGAATCCTACCTAGCTCCAC
CCACCTGGTATATAGGGGGCGAGCTTAGGATACCTCCAGGATAATGGAACCTATGGATA
CCTACCTCTAGGCTCCACCCACTAGGTATATCGGGGCGGAGCCCAATCCTCCCCCTCCTG
GTTCAACCCTATGGAGGGGACCTCCTGAGGCTCCGCTACCCCAAATCTCGCGACCTC
TAGCCCCCTCCTCCTCTCGTTATCCCAATAGAATAACCTCCAGGTACCACCCACCTGGTGA
CACACCTTAATGAAACCCAACGGGCTAAAATGACACACCTGAATTAACCAATAAGAAGCC
CCCACTCCTGAGCAAACCTTAAAGTATTACACAGAGACCCCAAAAAGAGGATAAAAGAAG
GCGAGCCGGCCGGCTCGCCAGCGTCGTCCAGACGCTCGGGGGGTGCACACCTCCCAGCC
GGCCCCGGCTCCTTGCGGCGGCTCCCCCCCCATGAAGCGGGTGGCGCGGGGTCCCTGCC
>EP16089 (+) EBV[BamHI-F] R1; range -499 to 100.

TTTTCAGATTGTCCACGGTCCAGGGCACAAAGTCTCCTCCTTTGGAGTTCTGCCCCGGA
TCTGTGCCACCTCTGTTACGCCACTCCTCGTGAGGGGGCAGCTGGACAGTCTTTTCCGG
TCAGGGGGTTTGGCTCGTTTGCCTCGTGAAGTCTTGTGAGCCATGACACATCTGGGTGGCA
AGGTGAGGTCTTCTGGGTTTTTAATACCGGGGTCGGCACCAGTTTCTGGGACACCGCCAC
AAGGACAAGGTGGGCTAGCAAGTTCTCGAGTCTACGAAGACTCCGGGGGAGTCTTTTGA
GTTTCTCGCCTATGATCCACCCCAATCTCGCCCCCTAATTGCGCCATCTGCCTACGCGA
GGCTGAACCTCCTGAATCATGCATCTTTCTTGAGGCGTTTAAAGAAGAGAATAGTGGCC
AGGGCCTCGGTGGGGTCCAGCTGAGGTCTTATTTTTGAAAAGGGATATTATAAAACAGG
TCATTGCTCGGATTGTGGCAGCCGATAGCACCTAGATCTAGTGAATCATGGCGAGCCCG
GAAGAGAGGCTCCTAGACGAGCTCAATAACGTAATTGTGTCAATTTCTGTGTGACTCTGGG
>EP16090 (+) EBV[BamHI-F] R2; range -499 to 100.

CTGAACGTGCCTGCCGCGGGTCCCCGGGCTACAAGTGTTCAGATCCCACGCTCCAGA
CCGGTGTCTGGCCCGGATTACCCTCCCTTGGCCGTGTTTGCATGGACTGCGGTTACTGC
TTGAACTTTGAAAAGCAGACAGGTGTAGGAGGCAGGCTCAATTCCTTTAGACCCACTCTC
CAGTTTTATCCCGTGACCAGAAGGAGAAGCATGTGCTGACCTGCCATGCCAGCGGCCGT
GTGTACTGCTCAACTGCGGCTCTGCGGCGGTGGGCTGCCAGAGGCTGGCTGAGCCACCG
AGCGCCCCGCTCGGGCTGGCGGCCCCGAATCCGGGCAAGTGTGCCGCACAACGCGGCCTAC
GAGCTCGACCGTGGCTCCCGCCTCTTGATGCCATCATCCCTGCTTGGGACCCGACCGC
ACTTGATGCGGCCGGTGGTCTGCGGGGGGTGACGGTCAGGCAGCTCCTGTATTTAACT
TTGCGGACAGAGGCCAGAGCCGTTTGTCTCATCTGTGACCAACGCCAAGCTCCAGAGGAC
GCCCCGACGAGCCTCACCTGTTCTCCTCTGTTTAGAGGTAGAATTGCCACCTGGTGAG
>EP16091 (+) EBV[BamHI-F] L2; range -499 to 100.

TCACCAGACCGAGGCTGGCGACCATTCGACAGGGCCCCCTGCCTCCTGGCCCCCATGTTTG

GACTAAGGCACAAGAATGCCTCACGGACCATCTGCCACTCTGCGAGAGCCTCGGGGCC
ACCCGGACGCCAAGGACACCTTTGACCGCTTCAAGAGCCTGATTCTTGACTCGTTTCGCA
ACAACATCAAAATCCTAGACAGGATCGTGTTCCTCATCAAGACCAAAACACGCTGCTGG
ATGTGCCATGCCCCAGGCTAAGGGCCTGGCTGCAGATGTGACCCCGCAAGACTTCCACA
AGCACCTGTTCTGCGACCCCTGTGTGCCATCAACCACAGCATCACGAATCCGAGCGTGC
TGTTTGGTCAGATTTACCCACCCAGCTTCCAGGCCTTTAAGGCAGCGCTTGACGCCGTC
AGAATCTGGAACAGGGGTCTGTGACTCGTTAATTACGCTTGTGTACATATTTAAATCCA
CACAAGTGGCCAGAGTGGGCAAAACAATCCTCGTGGATGTCTAAGGAACTGGACGTGG
TCCTGCGCATCCACGGCCTTGACCTGGTACAGTCTATCAAACCTCCAGGTCTACGTGT
>EP07139 (+) EBV[BamH1-L] R1; range -499 to 100.

GAAGAGGGCCAGGTCTTTGGCAAAGAGACGTCCAGGCCACGTCCCCGGGGTACTGGGG
GTGGTTGATGGGACCTTGTCTCTCCATCTGGGGGTGGCATATCTGAAGGCAGCCAG
GTGGATTTTGAGCTCCGATGGACGCAGCGTGGAGTTGTAGCGCCGCTGATTCTGGAGGAT
TAGCCGGAGTTCCTCCGTGTAGCCGGGATCGATGATGCCAATGAGACGTGACCCGACG
GGAGGTGCTGCCCCACAGCATGAGCCCATGACCCTCGGGTGGCGGGCATAGAGGCCTAG
GTCCACAGTTGTGGTCTTCTCGGGCGCAGCAGGATGGTGGTCTTGTGTACCAAGGTGAG
CCGCCCTACACTAGCCTGTGAGCAACAGCTTGTCTTCTGGAAGGCGTAGCGTATGTG
TGGACAGGCCTCCATGGTGATGATCTAACAGACAGGGACGGCGGCGCTATATATAAGAGC
CCAAGACCCGGCTCTCTTTACTGCGAAATGGGGAAGGTCTTAAGAAAGCCGTTTGCAAAG
GCTGTGCCACTGCTCTTCTCGCCGCCACCTGGCTTCTGACCGGGGTGCTGCCGGCCGGC
>EP07140 (+) EBV[BamH1-L] R2; range -499 to 100.

AGCCGCCCTACACTAGCCTGTGGAGCAACAGCTTGTCTTCTGGAAGGCGTAGCGTATG
TGTGGACAGGCCTCCATGGTGATGATCTAACAGACAGGGACGGCGGCGCTATATATAAGA
GCCCAAGACCCGGCTCTCTTTACTGCGAAATGGGGAAGGTCTTAAGAAAGCCGTTTGCAA
AGGCTGTGCCACTGCTCTTCTCGCCGCCACCTGGCTTCTGACCGGGGTGCTGCCGGCCG
GCCTTCCAGTCCACAAACGCGGCGGCGGCTTCCCTGACTGAAGCCAGGACAGTTCT
ACTCTACACATGTAATGCGGACACATTCTCGCCTTCTTTGACCAGCTTTGCCTCCATCT
GGGCACTTCTGACGCTTGTCTTAGTCATTATAGCCTCAGCCATCTACCTGATGTACGTCT
GCTTTAAACAAGTTTGTGAACACGCTGCTGACGGATTAGATGGGGATATTTAAAGGGGCA
GCAATCTCGGCTGTTTGTACTTCTTCTGCTCGTTAAACCAATAGCATGTCAGCTCCAC
GCAAAGTCAGATTGCCTTCTGTTAAGGCTGTTGACATGAGCATGGAAGACATGGCCGCC
>EP07141 (+) EBV[BamH1-L] L2; range -499 to 100.

CCCCAAATGCCACCAAGCCACCTTGGGAAAAACAAGTCCTACCTCAGCAGTGAACCC
CAACCCCAATGCCACCAAGCCACCTTGGGAAAAACAAGCCCACTCAGCAGTGACTA
CCCCAACCCCAATGCCACCAAGCCACCTTGGGAAAAACAAGCCCACTCAGCAGTGA
CTACCCCAACCCCAATGCCACCGGCCCTACTGTGGGAGAAACAAGTCCACAGGCAAATG
CCACCAACCACACCTTAGGAGGAACAAGTCCACCCAGTAGTTACCAGCCAACCAAAAA
ATGCAACCAGTGCTGTTACCACAGGCCAACATAACATAACTTCAAGTTCAACCTCTTCCA
TGTCAGTGAACCCAGTTCAAACCCAGAGACACTCAGCCCTCCACAGTGACAATTCAA
CGTCACATATGCCTTTACTAACCTCCGCTACCCAAACAGGTGGTGAATATAACACAGG
TGACACCAGCCTCTATCAGCACACATCATGTGTCCACAGTTTCGCCAGACCCCGCCAG
GCACCACCAGCCAAGCGTCAGGCCCTGGAAACAGTTCCACATCCACAAAACCGGGGGAGG
>EP07142 (+) EBV[BamH1-L] L1; range -499 to 100.

CAACAAATTACTTACCTTGTGTGTGTGATGGGTAACACACATCACACACTTAGGC
CATAGGGATGCTCACCGTAGCCGCGCTCCAATCGCTTGAAGAAGTGTCTTAGATCTAG
TGGAAACCTGCGGAGAATGGCTTCTCGCCAGGGAGATCCGGCTGGGGTGGGAGCATGGG
TCGTGCTGGAGCTGACCCACCGGCATCATGATCGACCCGCTTCTCTTCTGATCCCTTCTG
GGCCGGCTCCAGGTGGGCATCTTCTGCTTCTTCTTCTGAGCTGCTATCTGATAACTCTAT
GAGGACATTTTCCCAATCTCCCGCATACCTGTTCTGCAACCCGAGGTAGATGGGAC
TTCTTCTTCCATGTTGTATCCAGGGCCGGGGACCCGGCTGTCTTGTCCATTTTGTCT
TGCAACAAAAGTGTGACTACCAACACCGCACCCCTTGTACCTATTAAGAGGATGCT
GCCTAGAAATCGGTGCCGAGACAATGGAGGCAGCCTTGCTTGTGTGTCAGTACACCATCC
AGAGCCTGATCCATCTCACGGGTGAAGATCCTGGTTTTTCAATGTTGAGATTCCGGAAT
>EP07143 (+) EBV[BamH1-L] L3; range -499 to 100.

TGCTCATGTCAACAGCCTTAACAGAAGGCAATCTGACTTTGCGTGGAGCTGACATGCTAT
TGGTTTAACGAGCAGAGAAGAAGTACAAACAGCCGAGATTGCTGCCCCTTTAAATATCC
CCATCTAATCCGTGAGCAGCGTGTTCACAACTTGTAAAGCAGACGTACATCAGGTAGA
TGCTGAGGGCTAATGACTAAGACAAGCGTCAGAAGTGCCAGATGGAGGCAAGCTGG
TCAAAGAAGGCGAGAATGTGTCCGATTACATGTGTAGGAGTAGAACTGGTCTGGGCTT
CAGTCAGGGAAGCCGCCGCGCTTGTGGGACTGGAAGCGCCGGCCGAGCACCCCGG
TCAGAAGCCAGGTGGCGGCGAGGAAGAGCAGTGGCACAGCCTTTCGAAACGGCTTTCTTA
GGACCTTCCCCATTTTCGAGTAAAGAGAGCCGGGTCTTGGGCTCTTATATATAGCGCCG
CGTCCCTGTCTGTTAGATCATCACCATGGAGGCCTGTCCACACATACGCTACGCCTTCCA
GAATGACAAGCTGTTGCTCCAGCAGGCTAGTGTAGGGCGGCTCACCTTGGTCAACAAGAC
>EP07144 (+) EBV[BamH1-K] 2.1 kb; range -499 to 100.

TACCGACGAAGGAACCTGGGTCGCCGGTGTGTTCTGATATATGGAGGTAGTAAGACCTCCCT
TTACAACCTAAGGCGAGGAACCTGCCCTTGTATTCCACAATGTCGTCTTACACCATTGAG
TCGTCTCCCCCTTTGGAATGGCCCTGGACCCGGCCACAACCTGGCCCGCTAAGGGAGTC
CATTGTCTGTTATTTTCATGGTCTTTTTACAACTCATATATTTGCTGAGGTTTTGAAGGA
TGCGATTAAGGACCTTGTTATGACAAAGCCCGCTCCTACCTGCAATATCAGGGTGACTGT
GTGCAGCTTTGACGATGGAGTAGATTTGCCCTCCCTGGTTTCCACCTATGGTGGAAGGGGC
TGCCGCGGAGGGTGATGACGGAGATGACGGAGATGAAGGAGGTGATGGAGATGAGGGTGA
GGAAGGGCAGGAGTGATGTAACCTGTTAGGAGACGCCCTCAATCGTATTAAGGCCGTGT
ATCCCCCGCACTAAAGAATAAATCCCCAGTAGACATCATGCGTGCTGTTGGTGTATTTT
TGCCCATCTGTCTTGTCACCATTTTTCGTCTCCCAACATGGGGCAATTGGGCATACCCAT
>EP07145 (+) EBV[BamH1-K] 1.3 kb; range -499 to 100.

TTAGCCTGGCCTCCTTAAATTCACCTAAGAATGGGAGCAACCAGCTGGTCATCAGCCGCT
GCGCAAACGGACTCAACGTGGTCTCCTTCTTTATCTCCATCCTGAAGCGAAGCAGCTCCG
CCCTCACGGGCCATCTCCGTGAGTTGTTAACACCCTGGAGACTCTTACGGTTCATTCT
CAGTGGAAGACCTGTTTGGTGCCAACTTAACAGATACGCATGGCATCGCGGGGGCTAGA
CCTCTGGCTGGATGAGCAGCTGTGGAAGAGGAAACAGGAGATTGGTGTGAAAGGAGAAAA
TCTGCTTCTCCCCGACTTATGGCTAGATTTCTACAACCTAGCCCCATCTTCCAGCGCAA
GCTTGCTGCCGTTATTGCCTGTGTCCGACGCTGCGGACTCAGGCCACCGTCTACCCAGA
GGAGGACATGTGCATGGCCTGGGCGCGCTTTTGCACCCCTCTGATATTAAGGTGGTTAT
TTTGGGCCAGGACCCCTATCACGGGGGTCAAGCAAACGGCCTGGCATTACGCTCGCATA
CGGCTTTCCAGTTCACCCAGCCTGAGGAACATCTACGCGGAGCTGCACCGGAGCCTGCC
>EP07146 (+) EBV[EcoR1-H] L1; range -499 to 100.

ATCCACTAGATGTGGGTGGTGGGTGAGGTTGGTGGCGGCCCTCGTCTGATCTCCCGGAG
TGTGGCATTGTTTGGCCATGACAGCATGAATGTGCTCCAGGAGAAGAAGTGGAACCTGAG
TCTGGCCTCCCGCCCGCTGAAGGGCGGACAGGGGGGGATCCTGGTAACCTGATTCAGATG
AGCCAGCATCTTTGAGAGTTTCGCTTACAGGTCCCTAGGAAGCCGACGCGGGACCACGC
GGCAGAACTGCTCGAAGCAGCGCTCAAATTTGGTGATGAGACAAGTAGCGGATGATAAGGC
GAAACATTGAGCTCGTGTATGGAACCCGGGCGAGTCGGTGTATGTGATGACCCTGGGCA
CCGGGAGGTGGGCGAGCTGGTCAGGGTGGGCGAGGACCATATTTGCGAGTCTGTATGCT
CCAGACTCTGGACTCCAAGGGGGCCAGGGACGGTGCCCGGACTCAGAATTATTAACCGG
GTGGCAGCTCCTGGCAGTCATTATTCGGATAACGCCGAGTAGAAGCCGACGCATAGCCC
GACACGCGTAAAAGGTGGCCTCCCTGCCAGGGCCGTGTCCAACCATTTGATTAGAAGGG
>EP07147 (+) EBV[EcoR1-C] L1; range -499 to 100.

CACCTGTTTACCAGACCCCTGAGCTCGGAGCACCTGCACGCGCTGACGCACAGCCTGTAC
ACCTTCATCACGGGGCCCTGGCGGAGGAGAGCGGGCTCTTTCCCCACCCAGCAACGTG
GCCCTGGCTCGTGCTGTGACGCCGAGGTACGCTGCCCCACCAGAAGGCATTCTGACT
TCCCTGATATGGCCAGGCATCGAGCCGAGCGACTGGATAGAGACCTCCTTCAACAGCTTC
TACAGCGTACCCGGGGGCTCACTGGCATCTAGCCAGCAAATCTGTGCCGGGCGCTGCGC
GAGGCCGTCTTAACCGTGTCCCTCTACAACAAGACCTGGGGGCGGTCTTGATCCTGCGC
CGGGCGGACGCGGTGAGCCCCGCCAGGCCCTGCCCCGGATGGGCTTTACCTCACGTAC
GACTCTGACCGCCCCCTAATCTTCTGTATAAGGGCAGGGGGTGGGTATTTAAGGATCTA
TATGCCCTTCTCTACCTGCACCTCCAAATGAGAGATGACTCGGCGTAGGGTGCTAAGCGT
GGTCGTGCTGTAGCCGCCCTGGCGTGCCGTCTCGGTGCGCAGACCCAGAGCAGCCCGC
>EP11192 (+) EBV[EcoR1-D] R1; range -499 to 100.

ACGAAGGCGGCGCTCTTGTGGTCATCCAGGTAGTTTCGCACCGCAAACACCACTGTGTAG
CACAGCACCAACCTGAGCCGCGACCAAGTAGTCGTAGTGGTCGTTGTACACTGCGCGCAGG
ACGCTGATGATGAGCCGTACGTGCGTGTCTTTGCCCCGATGTCGGCTGTCCTGCAGGCC
AGCTCCGCGTACAGCTTCTATCCTTCTCAGGGAGGCCCTGATGAGCCGGCAGAGGACC
AGGGCTGGCAAAGGCAGGTCTTCTCATCCCGGTGAACACCGCGTACATGGCCCTGAAC
ATGAGGTAGCTGGACTCAGCCACTTGTCTGTCGCGGCGGAGGGCGCGACCCACGCCCTCG
ACCGGGGTCTCACAACACAGAATCTGTAGACTTGGCTGGCCTCATGGTCTCGTCAGGC
CAGCTCACGGGCTTCAGGCTTATATGATAAAATGGGCGTGGCAGAATAGTATAAGACGCG
AGGCCTGGGTGAGGAGAGTCCAGAGCAATGGCCAGGTTTCATCGCTCAGCTCCTCCTGTTG
GCCTCCTGTGTGGCGCGCGGCCAGGCTGTACCGCTTTCTTGGGTGAGCGAGTACCCCTG
>EP11193 (+) EBV[EcoR1-D] L2; range -499 to 100.

GGAAGGAGGACATGCGAGAATTGGCAGACACCTTTACCAGCCCTTAACACACCACACA
GGTAGCAAGGACCCGGGCGTTGCCAGACTCCGCCACCAACGCCCTGCGTTGAACCCACC
CCTCCTACACACATCAGACCTCTGCACAACACAACCTACCAGGCAGATGAGGCCCTTACT
TCCACAGGGTACTGGCATAACAGCGGGGGACACATACATCCCTGTCTCCACCCAGTAA
CTCCAGCAACTTTGCTTTCCATCTTGTGCCAATACACATTTGGATTACGCCCAAGCCACA
CCTAACTCATGCCAGCAGAGGCAGGAACACCTGTTGTTGACACATTCTTTGCGCATAAGC
ACTTTAATCCCTCTCTCACACCCAGAACTAAGAGCTAGCCAAAACCTCCACACCTGTC
CTCGCTCATCTTTCCACATTCTCTGGCCTTCTTTCTTGTCTTACTGTATAAAAGTCC
ACGAAAACAGCTGTGCCTCACTCTGAGATGGTACACGTCTGGAGCGTGCTTTGCTAGA
GCAGCAGTCTCTGCCTGCGGCTGCCCCGCTCTTCTACGGAGACCAGGCCTAGCCACCC

>EP11194 (+) EBV[EcoR1-D] L1A; range -499 to 100.

CATGCACACACACACCGCGCTTTTCGGGAAATCTGTACCGTACTGCCTCCGGCAGACCC
CGCAAATCCCCCGGGCTACATCCCAAGAAACACGCGTTACTCTGACGTAGCCGCCCTA
CATAAGCCTCTCACACTGCTCTGCCCCCTTCTTCTCAACTGCCTTGCTCCTGACACAC
TGCCCTGAGGATGGAACACGACCTTGAGAGGGGCCACCGGGCCCGCAGCGCCCCCTCG
AGGACCCCCCTCTCCTCTCCCTAGGCCTTGCTCTCCTTCTCCTCCTTGGCGCTACT
GTTTTGGCTGTACATCGTTATGAGTGAAGTGGAGGAGCCCTCCTTGCTCTATTCT
CTTTGCTCTCATGCTTATAATTATAATTTTGATCATCTTTATCTTCAGAAAGAGACCTTCT
CTGTCCACTTGAGCCCTTTGTATACTCCTACTGATGAGTAAGTATTACACCTTTGCCC
CACACCCCTTTCCCTTACTCTTCTCTAACGCACCTTCTCCTCTTTCCCAAGTCAC
CCTCTGCTCATCGCTCTCTGGAATTTGCACGGACAGGCATTGTTCTTGGAATTGTGCT

>EP24022 (+) HVS TS; range -499 to 100.

CATGAAGTGATCTATTTTAGATCACTTCATGCTTAAACATACGTTATAATCCTTGCTCTG
AGTTTCTCGAACTGTGATTGGATAACTCATTTTTAAGCATTCTGATTGGATCAGAGCGTA
AGTGATCTACTAGAGGCGAGCTTTTGATTCTGTCTAGAGCAGCAGCAATAGAAATGCAGA
CAGTGATCTTATATAGTATAGTTATTCGGTACCGAATATTCGGTACTGAAAAATCTATTT
TTTAATTTAATTTATTTTATTAATTTACCTATACTTGTTATCGGTATAGAGGTATCGG
TATATGTATTTCTATACCGATATATCGGTATAGAGACGAAATGACTCATCTGTTTAGTAT
TTTTAGAAAATGCAGCACTGTTTTATGTGGTGTGTTTATATAAAGCATGCTAGCTACTGA
CTGTGTTTTTAATTGAGCAAAACAGCTTTTGTTGGCTGCATTTTTGAGTGTATATAAGGCA
AGCAAGCTAGAGCTGCTTGGCTCACTTGCTCAGTGAAGCCCGAAGAAGCTGGTCATGATT
TTGAGCTCTCCAGCTTAAAAATTTAAACCTGCTTAAGTTGTGACAAAAAAATTAATAA
>EP26011 (+) EBV EBNA mRNAs E1P1; range -499 to 100.

TAAATTAATGTGTCCCAATTAGAAACCCCAAGCGCAGAAATTAGTTGAGAGGCTAGTGT
TAAACATGCACCCTAGGCCAGCCAGAGATAATGTCACAAGATTATCAAGTTGGTGTAAAC
ACGCCGTGGGAAAAAATTTATGGTTCAGTGCCTCGAGTGTATCTTTGGAACAGTAGAAA
ATTGAACCTTGTGGCGGGAGAAGGAATAACGCCTTATCTGGGAGGAGCGACGGATTATA
GCCAATAAGAGAGCTCAAGACGCAGGGCTCGCAAAGTATAGTGGCCCCGTGGGACCTTAG
AGGTGGAGCAACGTCTAAAGTGGTAATAACACCAGGCGGGGCTGGGCAAGGGGTCTAC
GGGCGGGATTAATTACGCCTTGCTTACGCAAGCTCAGTTAATTCGCCCACGACTTGAAAA
ATGTAGCCCTTAACCAATTGGCGGCCCTAAGGGGGGACTAAGGTCCCACTACAAAAAC
TCTGTGTTCTGCTGCAATTTTAGATCAGATGGCATAGAGACAAGGACACCGAAGACCCC
CAGAGCCCTCATCGAGGGTCTTACCATGCGGCCATGTAGGCCCACTTAACACTACAAG
>EP26012 (+) EBV EBNA mRNAs E2P2; range -499 to 100.

GGCTCAGGCCATGCGCGCCCTGTCAACAGGCTGCCAAAGAGCCAGATCTAAGGCCGGGA
GAGGCAGCCCCAAAGCGGGTGCAGTAACAGGTAATCTCTGGTAGTGATTGGACCCGAAA
TCTGACACTTTAGAGCTCTGGAGGACTTTAAACTCTAAAAATCAAACTTTAGAGGCGA
ATGGGCGCCATTTGTCCCCACGCGCGCATAATGGCGGACCTAGGCCTAAACCCCCAGG
AAGCGGGTCTATGGTTGGCTGCGCTGCTGCTATCTTTAGAGGGGAAAAGAGGAATAAGCC
CCCAGACAGGGGAGTGGGCTTGTGTTGTGACTTCACCAAAGGTGAGGGCCCAAGGGGGTTC
GCGTTGCTAGGCCACCTTCTCAGTCCAGCGGTTTACGTAAGCCAGACAGCAGCCAATTG
TCAGTTCTAGGAGGGGGACCACTGCCCTGGTATAAAGTGGTCTGACGCTATTTCTGG
TCGCATCAGAGCGCCAGGAGTCCACACAAATGTAAGAGGGGGTCTTCTACCTCTCCCTAG
CCCTCCGCCCCCTCAAGGACTCGGGCCAGTTTCTAACTTTTCCCTTCCCTCCCTCGT
>EP07148 (+) EBV[EcoR1-D] L1; range -499 to 100.

TCTGAAATCCCATATCCGCCGTCTGCTGCTTCGTCACCCGCCGACCTTAGCCCTCTTA
GCCGCCTCACCCGCCTCCCTACGGTTACCCACAGCCTTGCTCACCTGAACCCCCCTA
AAGCACGGCTCCCGCTGCCGCAACGACCTCCCAACGTTGCGCGCCCCGCGCTCTTT
GTGCAGATTACACTGCCGCTTCCCACAACACTACGCACTCCCCCTTCTGATTGCCGCACT
GCCTTTCCATTTCTGTTGCACTTTGGCCACCGCATTCCACAGCTTGCCCCCGGGGACC
CGCTTTTCTAACACAAACACACGCTTTCTACTTCCCCTTTCTACGCTTACATGCACACAC
ACACCGCGCTTTTCGGGAAATCTGTACCCGTAAGTGCCTCCGGCAGACCCCGCAAATCCCC
CCGGGCTACATCCCAAGAAACACGCGTTACTCTGACGTAGCCGCCCTACATAAGCCTCT
CACACTGCTCTGCCCCCTTCTTCTCAACTGCCTTGCTCCTGACACACTGCCCTGAGGA
TGGAACACGACCTTGAGAGGGGCCACCGGGCCCGCAGCGCCCCCTCGAGGACCCCCC
>EP07149 (+) Ad2 EIa; range -499 to 100.

NNCATCATCATAATATACCTTATTTTGGATTGAAGCCAATATGATAATGAGGGGGTGGAG
TTTGTGACGTGGCGCGGGGCTGGGAACGGGGCGGGTGACGTAGTAGTGTGGCGGAAGTG
TGATGTTGCAAGTGTGGCGGAACACATGTAAGCGCCGGATGTGGTAAAAGTGACGTTTTT
GGTGTGCGCCGTGTATACGGGAAGTGACAATTTTCGCGCGGTTTTAGGCGGATGTTGTA
GTAAATTTGGGCGTAACCAAGTAATGTTTGGCCATTTTCGCGGGAAAACCTGAATAAGAGG
AAGTGAAATCTGAATAATTCTGTGTTACTCATAGCGCGTAATATTTGTCTAGGGCCGCGG
GGACTTTGACCGTTTACGTGGAGACTCGCCAGGTGTTTTCTCAGGTGTTTTCCGCGTT
CCGGGTCAAAGTTGGCGTTTTATTATTATAGTCAGCTGACGCGCAGTGATTTTATACCGG
GTGAGTTCCTCAAGAGGCCACTCTTGAGTGCCAGCGAGTAGAGTTTTCTCCTCCGAGCCG

ATTTTGTATTGTGAITTTTAAAAGGTCCTGTGTCTGAACCTGAGCCTGAGCCCGAGCCA
GAACCGGAGCCTGCAAGACCTACCCGGCGTCTAAATTGGTGCCTGCTATCCTGAGACGC
CCGACATCACCTGTGTCTAGAGAATGCAATAGTAGTACGGATAGCTGTGACTCCGGTCCT
TCTAACACACCTCCTGAGATACACCCGGTGGTCCCCTGTGCCCATTAACACAGTTGCC
GTGAGAGTTGGTGGGCGTCGCCAGGCTGTGGAATGTATCGAGGACTTGCTTAACGAGTCT
GGGCAACCTTTGGACTTGAGCTGTAAACGCCCCAGGCCATAAGGTGTAACCTGTGATTG
CGTGTGTGGTTAACGCCTTTGTTGGTGAATGAGTGTAGTTAAGTTAATAAGGGTGAG
ATAATGTTTAACTTGCATGGCGTGTAAATGGGGCGGGGCTTAAAGGGTATATAAATGCGC

804/812

CGCAGCTTGC GGCGGCTTTTCGTACAGGGTGC GGTCGCCCCGGGCAGGGTATAACTCACC
TGA CTCTTGAGGGGCGAGGTATTCAGCTCAACGACGAGTCGGTGAGCTCTCGCTTGCTC
TCCGTCCGGACGGGACATTTAGATCGGCGGCGCGGCCGTCTTCATTACGCCTCGTC
>EP07155 (+) Ad2 EIV; range -499 to 100.

NN
NN
NN
NN
ATAATATACCTTATTTTGGATTGAAGCCAATATGATAATGAGGGGGTGGAGTTTGTGACG
TGGCGCGGGGCGTGGGAACGGGGCGGGTGACGTAGGTTTTAGGGCGGAGTAACCTGCATG
TATTGGGAATTGTAGTTTTTTAAAATGGGAAGTGACGTATCGTGGGAAAACGGAAGTGA
AGATTTGAGGAAGTTGTGGGTTTTTTGGCTTTCGTTTCTGGGCGTAGGTTTCGCGTGCCGT
TTTCTGGGTGTTTTTTGTGGACTTTAACCGTTACGTCATTTTTTAGTCCTATATATACTC
GCTCTGTA CTTGCCCTTTTTTACTGTGACTGATTGAGCTGGTGCCGTGTGAGTGGTG
TTTTTTAATAGTTTTTTTACTGGTAAGGCTGACTGTTATGGCTGCCGCTGTGGAAGCGC
>EP07156 (+) Ad2 IVa2; range -499 to 100.

GCCAAGGAGCGCGCGATCGCGACAAAAACCAACCCCTGCGCTCCATCGCCAAGTTGCTG
TCCAACGCCCTCTACGGGTGTTTTGCCACCAAGCTTGACAACAAAAAGATTGTCTTTTCT
GACCAGATGGACGCGGCCACCTCAAAGGCATCACCGCGGGCCAGGTGAATATCAAATCC
TCCTCGTTTTTGGAAACTGACAATCTTAGCGCAGAAGTCATGCCCGCTTTTGAGAGGGAG
TACTCACCCCAACAGCTGGCCCTCGCAGACAGCGATGCGGAAGAGAGTGAGGACGAACGC
GCCCCACCCCTTTTATAGCCCCCTTCAGGAACACCCGGTCACGTGGCCTACACCTAT
AAACCAATCACCTTCTTGATGCCGAAGAGGGCGACATGTGTCTTACACCCCTGGAGCGA
GTGGACCCCTAGTGGACAACGACCGCTACCCCTCCACTTAGCCTCCTTCGTGCTGGCC
TGGACGCGAGCCTTCGTCTCAGAGTGGTCCGAGTTTCTATACGAGGAGGACCGCGGAACA
CCGCTCGAGGACAGGCCTCTCAAGTCTGTATACGGGGACACGGACAGCCTTTTCGTACCC
>EP11200 (-) Ad5 IVa2; range -499 to 100.

GCCAAGGAGCGCGCGATCGCGACAAAAACCAACCCCTGCGCTCCATCGCCAAGTTGCTG
TCCAACGCCCTCTACGGGTGTTTTGCCACCAAGCTTGACAACAAAAAGATTGTCTTTTCT
GACCAGATGGATGCGGCCACCTCAAAGGCATCACCGCGGGCCAGGTGAATATCAAATCC
TCCTCGTTTTTGGAAACTGACAATCTTAGCGCAGAAGTCATGCCCGCTTTTCAGAGGGAG
TACTCACCCCAACAGCTGGCCCTCGCAGACAGCGATGCGGAAGAGAGTGAGGACGAACGC
GCCCCACCCCTTTTATAGCCCCCTTCAGGAACACCCGGTCACGTGGCCTACACCTAC
AAACCAATCACCTTCTTGATGCCGAAGAGGGCGACATGTGTCTTACACCCCTGGAGCGA
GTGGACCCCTAGTGGACAACGACCGCTACCCCTCCACTTAGCCTCCTTCGTGCTGGCC
TGGACGCGAGCCTTTGTCTCAGAGTGGTCCGAGTTTCTATACGAGGAGGACCGCGGAACA
CCGCTCGAGGACAGGCCTCTCAAGTCTGTATACGGGGACACGGACAGCCTTTTCGTACCC
>EP11201 (-) Ad7 IVa2; range -499 to 100.

GCCAAGGAGCGCGCGGACAAGGAAAAGAACCAACCATGCGCTCCATCGCCAAGCTTCTA
TCCAACGCCCTCTATGGATCATTTGCCACCAAGCTGGACAACAAGAAGATTGTGTTTTCT
GACCAGATGGACGAGAGTCTTATAAAAGGCATCTCTGCTGGTACTGTCAATATCAAATCC
TCCTCGTTTCTAGAAACTGACAACCTGAGTGCAGAGGTATGCCCGCATTCGAGAGGGAA
TACCTACCCCAACAGCTGGCGCTCTGGACAGCGATCCGGAAGACAGTGAGGACGAACAG
AGGTCCGCCCCCTTTTATACCCCCCGGCGGGGACCCCTGGTCACGTGGCCTACACTTAC
AAGCCAATCACATTCTTGATGTGGAGGAGGGGGACATGTGTTTACATACCGTAGAGAAG
GTGGATCCCTGGTTGACAACGACCGCTACCCCTCCACGTGGCCTCCTTTGTGCTGGCC
TGGACACGCGCTTTTGTATCAGAGTGGGCTGGATTCTCTACGAAGAGGACCGAGGCACT
CCGCTCGAGGACAGGCCATAAAGTCTGGTCTACGGGGACACGGACAGCCTTTTGTACCC
>EP07157 (+) Ad2 IX; range -499 to 100.

CCTCTCAGATGCTGACCTGCTCGGACGGCAACTGTCACCTGCTGAAGACCATTACGTA
CCAGCCACTCTCGCAAGGCCCTGGCCAGTGTGTTGAGCACAACATACTGACCCGCTGTTCT
TGCAATTTGGGTAACAGGAGGGGGGTGTTCTACCTTACCAATGCAATTTGAGTCACACTA
AGATATTGCTTGAGCCGAGAGCATGTCCAAGGTGAACCTGAACGGGGTGTGACATGA
CCATGAAGATCTGGAAGGTGCTGAGGTACGATGAGACCCGACCCAGGTGCAGACCCTGCG
AGTGTGGCGGTAACATATTAGGAACAGCCTGTGATGCTGGATGTGACCGAGGAGCTGA
GGCCCGATCACTTGGTGTGCGCTGCACCCGCGCTGAGTTTGGCTCTAGCGATGAAGATA
CAGATTGAGGTACTGAAATGTGTGGCGTGGCTTAAGGGTGGGAAAGAATATATAAGGTG
GGGGTCTCATGTAGTTTTGTATCTGTTTTGACGAGCCGCCCATGAGCGCCAACCTCGT
TTGATGGAAGCATTGTGAGCTCATATTTGACAACGCGCATGCCCCATGGGCCGGGGTGC
>EP11202 (-) Ad5 IX; range -499 to 100.

CCTCTCAGATGCTGACCTGCTCGGACGGCAACTGTCACCTGCTGAAGACCATTACGTA
CCAGCCACTCTCGCAAGGCCCTGGCCAGTGTGTTGAGCATAACATACTGACCCGCTGTTCT
TGCAATTTGGGTAACAGGAGGGGGGTGTTCTACCTTACCAATGCAATTTGAGTCACACTA
AGATATTGCTTGAGCCGAGAGCATGTCCAAGGTGAACCTGAACGGGGTGTGACATGA
CCATGAAGATCTGGAAGGTGCTGAGGTACGATGAGACCCGACCCAGGTGCAGACCCTGCG
AGTGTGGCGGTAACATATTAGGAACAGCCTGTGATGCTGGATGTGACCGAGGAGCTGA

GGCCCGATCACTTGGTGCTGGCCTGCACCCGCGCTGAGTTTGGCTCTAGCGATGAAGATA
CAGATTGAGGTAAGTAAATGTGTGGGCGTGCTTAAGGGTGGGAAAGAATATATAAGGTG
GGGGTCTTATGTAGTTTTGTATCTGTTTTGCAGCAGCCGCCGCCATGAGCACCAACT
CGTTTGATGGAAGCATTGTGAGCTCATATTTGACAACGCGCATGCCCCATGGGCCGGGG
>EP07158 (+) Ad7 IX; range -499 to 100.

ATCAGATGCTAACCTGCGCTGGTGGACATTGCAATATTCTTGCTACCGTGCATATCGTTT
CACATGCACGCAAGAAATGGCCTGTATTTGAACATAATGTGATTACCAAGTGCACCATGC
ATATAGGTGGTGCAGGGGAATGTTTATGCCTTACCAGTGAACATGAATCATGTGAAGG
TAATGTTGGAACCATGAGTGCCTTTTCCAGAGTGAGCGTAACAGGAATCTTTGATATGAATA
TTCAACTATGGAAGATCCTGAGATATGATGACACTAAACCAAGGGTGCGCGCATGCGAAT
GCGGAGGCAAGCATGCTAGATTCCAGCCGGTGTGCGTGGATGTGACTGAAGACCTGAGGC
CCGATCATTTGGTGCTTGCCTGCACTGGAGCGGAGTTCGGTTCTAGTGGTGAAGAACTG
ACTAAAGTAAGTAGTGGGGGCAAAATGTGGATGGGGACTTTAGGTTGGTAAGGTGGACA
AATTGGGTAAATTTTGTAAATTTCTGTCTTGCACTGCCATGAGTGAAGCGCTTCTTTT
GAGGGGGGAGTATTTAGCCCTTATCTGACGGGCAGGCTCCCACCATGGGCAGGAGTTCGT
>EP07159 (+) Ad2 major late; range -499 to 100.

GGGCGTAGAGCTTGGGCGCGAGAAATACCGATTCCGGGGAGTAGGCATCCGCGCCGAGG
CCCCGAGACGGTCTCGCATTTCCACGAGCCAGGTGAGCTCTGGCCGTTTCGGGGTCAAAAA
CCAGGTTTCCCCCATGCTTTTTGATGCGTTTCTTACCTCTGGTTTCCATGAGCCGGTGTC
CACGCTCGGTGACGAAAAGGCTGTCCGTGTCCCGTATACAGACTTGAGAGGCCTGTCTT
CGAGCGGTGTTCCGCGGTCTCTCGTATAGAACTCGGACCACTCTGAGACGAAGGCTC
GCGTCCAGGCCAGCACGAAGGAGGCTAAGTGGGAGGGGTAGCGGTCTGTGTTCCACTAGGG
GGTCCACTCGCTCCAGGGTGTGAAGACACATGTGCCCCCTTTCGGCATCAAGGAAGGTGA
TTGGTTTATAGGTGTAGGCCACGTGACCGGGTGTTCCTGAAGGGGGGCTATAAAAGGGGG
TGGGGGCGCGTTCGTCTCACTCTCTTCCGCATCGCTGTCTGCGAGGGCCAGCTGTTGGG
GTGAGTACTCCCTCTCAAAAGCGGGCATGACTTCTGCGCTAAGATTGTCAGTTTCCAAAA
>EP11203 (-) Ad5 major late; range -499 to 100.

GGGCGTAGAGCTTGGGCGCGAGAAATACCGATTCCGGGGAGTAGGCATCCGCGCCGAGG
CCCCGAGACGGTCTCGCATTTCCACGAGCCAGGTGAGCTCTGGCCGTTTCGGGGTCAAAAA
CCAGGTTTCCCCCATGCTTTTTGATGCGTTTCTTACCTCTGGTTTCCATGAGCCGGTGTC
CACGCTCGGTGACGAAAAGGCTGTCCGTGTCCCGTATACAGACTTGAGAGGCCTGTCTT
CGAGCGGTGTTCCGCGGTCTCTCGTATAGAACTCGGACCACTCTGAGACAAAGGCTC
GCGTCCAGGCCAGCACGAAGGAGGCTAAGTGGGAGGGGTAGCGGTCTGTGTTCCACTAGGG
GGTCCACTCGCTCCAGGGTGTGAAGACACATGTGCCCCCTTTCGGCATCAAGGAAGGTGA
TTGGTTTGTAGGTGTAGGCCACGTGACCGGGTGTTCCTGAAGGGGGGCTATAAAAGGGGG
TGGGGGCGCGTTCGTCTCACTCTCTTCCGCATCGCTGTCTGCGAGGGCCAGCTGTTGGG
GTGAGTACTCCCTCTGAAAAGCGGGCATGACTTCTGCGCTAAGATTGTCAGTTTCCAAAA
>EP11204 (-) Ad7 major late; range -499 to 100.

GGGCATACAGCTTGGGCGCGAGGAAATGGATTCCGGGGAGTAGCATCCGCACCGCAGG
AGACGCGAGACGGTTTCGCACTCCACAAGCCAGGTGAGTCCGGCTCATCAGGGTCAAAAA
CAAGTTTTCCGCCATGTTTTTGTATGCGTTTCTTACCTTTGGTTTCCATGAGTTCGTGTC
CACGCTGGGTGACAAAGAGGCTGTCCGTGTCCCGTAGACCGACTTTATGGGCCTGTCTT
CGAGCGGAGTGCTCGGTCTCTTCTGTAGAGGAATCCAGCCCACTCTGATACAAAAGCGC
GTGTCCAGGCCAGCACAAAGGAGGCCACGTGGGAGGGGTAGCGGTCTGTGTAACCAAGGG
GATCCACCTTCTTACGGTATGTAAACACATGTCCCCCTCTCCACATCCAAGAATGTGA
TTGGCTTGTAAGTGTAGGCCACGTGACCAAGGGTCCCCGCCGGGGGGGTATAAAAGGGGG
CGGACCTCTGTTCTCTCACTGTCTTCCGGATCGCTGTCCAGGAGCGCCAGCTGTTGGG
GTAGGTATTCCCTCTCGAATGCGGGCATGACCTCTGCACTCAGGTTGTCAGTTTCTAGGA
>EP26036 (-) Ad12 major late; range -499 to 100.

GGGCGTAGAGTTTGGAGGCCAAAAACAGATTCTGGAGAATAAGCATTCGCCACAAT
AACTACAAACAGTTTACATTCAACTGACCAGGTGAGCTCAGGACATGATGGATCAAAAA
CAAGTTTCCCTCCGTACTTTTTGATGCGTTTCTTACCTTGCGACTCCATAAGGCGGCGTC
CTTTCTCTGTGACAAAAAGACTGTGAGTGTCTCCGTATACAGATTTAAGGGGTCTATCCT
TCAGTGGTATTCCGCGGTCTCTCGTACAGGAATTCTGACCACTCTGACACAAAAGCTC
TAGTCCAAGCAAGTACAAAGGAAGCCACATGGGAAGGGTACCGATCGTTGTTAATTAAG
GGTTAGAATTTCTAAGGTGTGTAACACATGTCTCCTTCTCAGCGTCCATGAATGTGA
TTGGTTTGTAGGTGTAAAGTACGTGTTCAAAATTTCTGGTGGTGGGCTATAAAAGGGGG
CGGGTCTTGGTCTTCATCGCTTTCTTCTGCTTCTGCTGTTACGAGCGCAACTGGTTGG
GTGAGTACACGCGCTCAAAGGCAGGCATTACCTCTGTAACGTGTGAGTTTCTATAA
>EP07160 (+) Ad2 LIIa; range -499 to 100.

GTTGCCAATTTCTGGGCGCGCGGAGGGGAATGCGACCGAGGGTGACGGTGTTCGTCT
GACACCTCTTCGGCCTCGGAAGCTTCGTCTAGGCTGTCCAGTCTTCCATCATCTCCTCC
TCCTCGTCCAAAACCTCTCTGCCTGACTGTCCAGTATTCCTCCTCGTCCGTGGGTGGC
GGCGGCGGACGTGCAGCTTCTTTTGGGTGCCATCTGGGAAGCAAGGGCCCCGCGGCTG
CTGATAGGGTGCAGCGCGGGGGGATTGGGTTGAGCTCCTCGCCGACTGGGGTCCAG

GTAAACCCCCCGTCCCTTTTCGTAGCAGAACTCTTGGCGGGCTTTGTTGATGGCTTGCAA
TTGGCCAAGGATGTGGCCCTGGGTAATGACGCAGGCGGTAAGCTCCGCATTTGGCGGGCG
GGATTGGTCTTCGTAGAACCTAATCTCGTGGGCGTGGTAGTCCTCAGGTACAAATTTGCG
AAGGTAAGCCGACGTCCACAGCCCCGAGTGAGTTTCAACCCCGAGCCGCGGACTTTTC
GTCAGGCGAGGGACCCTGCAGCTCAAAGGTACCGATAATTTGACTTTTCGCTAAGCAGTTG
>EP11206 (+) BPV1 P_L P1; range -499 to 100.

GTATACCATAGACATATGGAAGAATATAAGCTAGCCTTTATATTAGAGCTATGCTCTGTG
GAAATCACAGCTCAAACGTGTGCACATCTGCAAGGACTTATGCCCTCTGTGCTTGAAAA
TGGGAAATAGGTGTGCAGCCTCTACCTCATCGATATTAGAGGACACCTATCGCTATATA
GAGTCTCCTGCAACTAAATGTGCAAGCAATGTAATTCCTGCAAAAGAAGACCCTTATGCA
GGGTTTAAGTTTTGGAACATAGATCTTAAAGAAAAGCTTTCTTTGGACTTAGATCAATTT
CCCTTGGGAAGAAGATTTTTAGCACAGCAAGGGGCGAGGATGTTCAACTGTGAGAAAACGA
AGAATTAGCCAAAAAACTTCCAGTAAGCCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTAAGT
TTCTATAAATGTTCTGTAAATGTAAACAGAAGGTAAGTCAACTGCACCTAATAAAAAATC
ACTTAATAGCAATGTGCTGTGTCAGTTGTTTATTGGAACCACACCCGGTACACATCCTGT
CCAGCATTTGCAAGTGCCTGCAATTGAATTATTGTGCTGGCTAGACTTCATGGCGCCTGGCA
>EP11205 (+) BPV1 P_L (wart) P2; range -499 to 100.

ACAGCTCAAACGTGTGTACATCTGCAAGGACTTATGCCCTCTGTGCTTGAAAAATTGGGAA
ATAGGTGTGCAGCCTCTACCTCATCGATATTAGAGGACACCTATCGCTATATAGAGTCT
CCTGCAACTAAATGTGCAAGCAATGTAATTCCTGCAAAAGAAGACCCTTATGCAGGGTTT
AAGTTTTGGAACATAGATCTTAAAGAAAAGCTTTCTTTGGACTTAGATCAATTTCCCTTG
GGAAGAAGATTTTTAGCACAGCAAGGGGCGAGGATGTTCAACTGTGAGAAAACGAAGAATT
AGCCAAAAAACTTCCAGTAAGCCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTAAGTTTCTAT
AAATGTTCTGTAAATGTAAACAGAAGGTAAGTCAACTGCACCTAATAAAAAATCACTTAA
TAGCAATGTGCTGTGTCAGTTGTTTATTGGAACCACACCCGGTACACATCCTGTCCAGCA
TTTGCAAGTGCCTGCAATTGAATTATTGTGCTGGCTAGACTTCATGGCGCCTGGCACCGAAT
CCTGCCTTCTCAGCGAAAAATGAATAATTGCTTTGTTGGCAAGAACTAAGCATCAATGGG
>EP11207 (+) BPV1 P7940 P1; range -499 to 100.

TTTTTTTTCACACATAGCGGGACCGAACACGTTATAAGTATCGATTAGGTCTATTTTTGTC
TCTCTGTGCGAACCAAGAACTGGTAAAAGTTTCCATTGCGTCTGGGCTTGCTATCATTGC
GTCTCTATGGTTTTTGGAGGATTAGACGGGGCCACCAGTAATGGTGCATAGCGGATGTCT
GTACCGCCATCGGTGCACCGATATAGGTTTGGGGCTCCCCAAGGGACTGCTGGGATGACA
GCTTCAATTATATTGAATGGGCGCATAATCAGCTTAATTGGTGAGGACAAGCTACAAGT
TGTAACCTGATCTCCAAAAAGTACGTTGCGGGTCAAGCGTCTTCGGTGCTCGA
AACCGCCTTAAACTACAGACAGGTCCCAGCCAAGTAGGCGGATCAAAACCTCAAAAAGGC
GGGAGCCAATCAAAATGCAGCATTATATTTTAAGCTCACCGAAACCGGTAAGTAAAGACT
ATGTATTTTTTCCAGTGAATAATTGTTGTTAACAATAATCACACCATCACCGTTTTTTC
AAGCGGAAAAAATAGCCAGCTAACTATAAAAAAGCTGCTGACAGACCCCGTTTTTCACAT
>EP15060 (+) HPV18 E6 P1; range -499 to 100.

TATTTCAAGTTATAAACTGCACACCTTACAGCATCCATTTTATCCTACAATCCTCCATT
TTGCTGTGCAACCGATTTTCGTTTGCCTTTGGCTTATGTTTGTGGTTTTCTGCACAATACA
GTACGCTGGCACTATTGCAAAATTTAATCTTTGGGCACGTCTCCTACATATTTTGAACC
ATTGGCGCGCCTCTTTGGCGCATACAAGGCGCACCTGGTATTAGTCATTTTCTGTCCAG
GTGCGCTACAACAATTGCTTGCATAACTATATCCACTCCCTATGTAATAAACTGCTTTT
AGGCACATATTTTAGTTTGTTTTACTTAAGCTAATTGCATACTTGGCTTGTAACACTAC
TTTCATGTCCAACATTCTGTCTACCTTAAACATGAACATAATATGACTAAGCTGTGCAT
ACATAGTTTATGCAACCGAAATAGGTTGGGCGAGCACATACTATACTTTTCAATAACTT
TTAACAATTGTAGTATATAAAAAAGGGAGTAACCGAAACGGTCGGGACCGAAAAACGGTG
TATATAAAAGATGTGAGAAACACACCAATACCATGGCGCGCTTTGAGGATCCAACACG
>EP11208 (+) BPV1 P89 P2; range -499 to 100.

CGTCTGGGCTTGCTATCATTGCGTCTCTATGGTTTTTGGAGGATTAGACGGGCCACCA
TAATGGTGCATAGCGGATGTCTGTACCGCCATCGGTGCACCGATATAGTTTTGGGGCTCC
CCAAGGGACTGCTGGGATGACAGCTTCATATTATATTGAATGGGCGCATAATCAGCTTAA
TTGGTGAGGACAAGCTACAAGTTGTAACCTGATCTCCACAAAGTACCGTTGCCGGTCGGG
GTCAAACCGTCTTCGGTGCTGAAACCGCCTTAACTACAGACAGGTCCCAGCCAAGTAG
GCGGATCAAAACCTCAAAAAGGCGGGAGCCAATCAAAATGCAGCATTATTTTTAAGCTC
ACCGAAACCGGTAAGTAAAGACTATGTATTTTTTCCAGTGAATAATTGTTGTTAACAAT
AATCACACCATCACCGTTTTTCAAGCGGGAAAAAATAGCCAGCTAACTATAAAAAAGCTG
CTGACAGACCCCGTTTTTCATGGACCTGAAACCTTTTGAAGAACCAATCCATTCTCA
GGGTTGGACTGTCTGTGGTGCAGAGAGCCTTACAGAAGTTGATGCTTTTAGGTGCATG
>EP26033 (-) HPV16 E6/E7; range -499 to 100.

TTCTATGTCAGCAACTATAGTTTAACTTGTACGTTTCCTGCTTGCCATGCGTGCCAAAT
CCCTGTTTTCTGACCTGCACTGCTTGCCAACCATTCATTGTTTTTTTACTGCACTAT
GTGCAACTACTGAATCACTATGTACGTTGTGTCATATAAAAAATAATTACTATGCGCCAAC
GCCTTAAATACCGCTGTTAGGCACATATTTTTGGCTGTTTTAACTCACCTAATTGCATG

AGGCCATAGCCACACTGTGCCCTTCTACGGGTGCGTAAACTGGACCAATGAGAACTTTC
CCTTCAACGACTGTGTCGACAAGATGGTGATCTGGTGGGAGGAGGGGAAGATGACCGCCA
AGGTCGTGGAGTCGGCCAAAGCCATTCTCGGAGGAAGCAAGGTGCGCGTGGACCAGAAAT

TGTCAAACAGGACTGGCGCCTTGGAGGCGCTGTGGGGCTTGTCAAACAGGACTGGCGC
CTTGGAGGCGCTGTGGGGCCACCCAAATTGATATAATTAAGCCCCAACCGCCTCTTCCCG

CCTCATTTTCAGCCTCACCACCATCATGCATTTTGAAGAAATTCACCTTACTTGATCAGCTTCA
GAAGATGGCGGAGGGCCTCCAACACAGTAATTTTCTCCGACTCTTAAAATAGAAAATG
TCAAGTCAGTTAAGCAGGAAGTCACTAACTGACCGCAGCTGGCCGTGCGACATCCTCTTT
TAATTAGTTGCTAGGCAACTGCCCTCCAGAGGGCAGTGTGGTTTTGCAAGAGGAAGCAAA
AAGCGGCAGTGTGGTTTTGCAAGAGGAAGCAAAAAGCCTCTCCACCCAGGCCTAGAATGT
TTCCACCCAATCATTACTATGACAACAGCTGTTTTTTTTTAGTATTAAGCAGAGGCCGGGG
GCCCTTGGCCTCCCTTACTCTGGAGAAAAAGGAGAGAGGCATTGTAGAGGCTTCCAGAG
GCAACTTGTCAAAACAGGACTGGCGCCTTGGAGGCGCTGTGGGGCTTGTCAAAACAGGAC
>EP07164 (+) SV40 T/t early P2; range -499 to 100.

TTTTTGCCTTTCCCGTCAACAGTATCTTCCCTTCACAAAATTGCAGCAAAAGCTCTAAA
ACAAAACAAAAAGGCGTTGAGCTGTTTTTTTACTTTTCACTCCATGACCTACGAACCTTA
ACGGAGGCCTGGCGTGACAGCCGGCGCAGCACCATGGCCTGAAATAACCTCTGAAAGAGG
AACTTGGTTAGGTACCTTCTGAGGCGGAAAGAACCAGCTGTGGAATGTGTGTCAGTTAGG
GTGTGGAAAGTCCCCAGGCTCCCCAGCAGGCAGAAAGTATGCAAAGCATGCATCTCAATTA
GTCAGCAACCAGGTGTGGAAGTCCCCAGGCTCCCCAGCAGGCAGAAAGTATGCAAAGCAT
GCATCTCAATTAGTCAGCAACCATAGTCCCGCCCCCTAACTCCGCCCATCCCGCCCCCTAAC
TCCGCCCAGTTCCGCCCTTCCGCCCTTCCGCCCTTCCGCCCTTCCGCCCTTCCGCCCTTCC
GGCCGAGGCGCCTCGGCCTCTGAGCTATTCCAGAAGTAGTGAGGAGGCTTTTTTGGAGG
CCTAGGCTTTTGCAAAAAGCTTTGCAAAGATGGATAAAGTTTTTAAACAGAGAGGAATCTT
>EP11213 (-) BKV T/t early; range -499 to 100.

GATTACTTACCTAGGAGTCTTTTACAGAGTCTTTTACAGCAGGTAAAGCAGTGGTACTTT
TGTTTTTCCCGTCTACACTGTCTTACCTCTACAAAATTCCAGCAAAAGCTCTAAAATAA
AAATAAAAATCCTCTGAGCTCTTTTTTTTGTTCAGTCCAGGTTTTACCAACTTTCACTG
AAGCTTGTCTGACAGCTGGCGCAGAACCATGGCCTTTGTCCAGTTTAACTGGGGACAAG
GCCAAGATTCTAGGCTCGCAAAACATGTCTGTGCATGCACTTTCTTCTGAGGTCATGG
TTTGGCTGCATTCCATGGGTAAAGCAGCTCCTCCCTGTGAGTCATGCACTTTCTTCTCTGA
GGTCATGGTTTTGGCTGCATTTCCCTGTGAGTCATGCACTTTCTTCTCTGAGGTCATGGTT
TGGCTGCATTCCATGGGTAAAGCAGCTCCTCCCTGTGGCCTTTTTTTTTTATAATATAAG
AGGCCGAGGCCGCTCTGCCTCCACCTTTCTCTCAAGTAGTAAGGTTGTGGAGGCTTTT
TCTGAGGCCTAGCAAACTATTTGGGGAATCCCTATTCTTTTGAATTTTTGCAAAAAT
>EP07165 (-) Polyoma T/t E P2; range -499 to 100.

CAGCTTCAGAAGATGGCGGAGGGCCTCCAACACAGTAATTTTCTCCGACTCTTAAAAT
AGAAAATGTCAAGTCAGTTAAGCAGGAAGTCACTAACTGACCGCAGCTGGCCGTGCGACA
TCCTCTTTTAAATTAGTTAGTGTAGGCAACTGCCCTCCAGAGGGCAGTGTGGTTTTGCAAGAG
GAAGCAAAAAGCGGCAGTGTGGTTTTGCAAGAGGAAGCAAAAAGCCTCTCCACCCAGGCC
TAGAATGTTTCCACCCAATCATTACTATGACAACAGCTGTTTTTTTTTAGTATTAAGCAGA
GGCCGGGGGGCCCTGGCCTCCCTTACTCTGGAGAAAAAGGAGAGAGGCATTGTAGAGGC
TTCCAGAGGCAACTTGTCAAAACAGGACTGGCGCCTTGGAGGCGCTGTGGGGCTTGTCAA
AACAGGACTGGCGCCTTGGAGGCGCTGTGGGGCCACCCAAATTGATATAATTAAGCCCCA
ACCGCCTCTTCCCGCTCATTTCAGCCTCACCACCATCATGCATTTTGAAAATTCACCTA
CTTGATCAGCTTCAGAAGATGGCGGAGGGCCTCCAACACAGTAATTTTCTCCGACTCT
>EP07168 (+) SV40 late; range -499 to 100.

TTTCTCATCAGAGGAATATTTCCCCCAGGCACTCCTTTCAAGACCTAGAAGGTCCATTAGC
TGCAAAGATTCTCTCTGTTTAAACTTTATCCATCTTTGCAAAGCTTTTGCAAAAGCC
TAGGCCTCCAAAAAGCCTCCTCACTACTTCTGGAATAGCTCAGAGGCCGAGGCGGCCTC
GGCCTCTGCATAAATAAAAAAATTAGTCAGCCATGGGGCGGAGAAATGGGCGGAAGTGGG
CGGAGTTAGGGGCGGGATGGGCGGAGTTAGGGGCGGAGCTATGGTTGCTGACTAATTGAG
ATGCATGCTTTGCATACTTCTGCCTGCTGGGGAGCCTGGGGACTTTCCACACCTGGTTGC
TGACTAATTGAGATGCATGCTTTTGCATACTTCTGCCTGCTGGGGAGCCTGGGGACTTTCC
ACACCCTAACTGACACACATTTTACAGCTGGTTCTTTCCGCCTCAGAAGGTACCTAACCA
AGTTCTCTTTTCAAGGTTATTTTCAAGGCCATGGTGCTGCGCCGGCTGTACGCCAGGCCT
CCGTAAAGGTTCTGATGCTGAGTGAAGTAAAAAACAGCTCAACGCCTTTTTGTGT
>EP11214 (+) Polyoma late; range -499 to 100.

GTTTTAGAAGTTCTAGCAGCCTTTCTTTGTGAGCTCTGCTCAGAACTCTATCCATGATGG
TGGTGAGGCTGAAATGAGGCGGGAAGAGGCGGTTGGGGCTTAATTATATCAATTTGGGTG
GCCCCACAGCGCCTCAAGGCGCAGTCTGTTTTGACAAGCCCCACAGCGCCTCAAGG
CGCAGTCTGTTTTGACAAGTTGCCTCTGGAAGCCTCTACAATGCCTCTCTCTTTTTTC
TCCAGAGTAAGCGGAGGCCAGGGGCCCCCGCCTCTGCTTAATACTAAAAAACAGCTG
TTGTCATAGTAATGATTGGGTGGAACATTCTAGGCCTGGGTGGAGAGGCTTTTTGCTTC
CTCTTGCAAAACCACACTGCCCTTTTTGCTTCTCTTGCAAAACCACACTGCCCTCTGG
AGGCCAGTTGCCTAGCAACTAATTAAGAGAGGATGTCGCACGGCCAGCTGCGGTCAGCTA
GTGACTTCTGCTTAAGTACTGATTTTCTATTTTAAAGAGTCGGGAGGAAAATTAAT
GTGTTGGAGGCCCTCCGCATCTTCTGAAGCTGATCAAGTAAGTGAATTTTCAAAATGGG
>EP11217 (-) HBV(adr4) 3.6 kb P1; range -499 to 100.

GCTTGTGTTGCTCGCAGGCGGTCTGGAGCGAACTTATCGGCACCGACAACCTCTGTTGTC

CTCTCTCGGAAATACACCTCCTTTCCATGGCTGCTAGGGTGTGCTGCCAACTGGATCCTG
CGCGGGACGTCTTTGTCTACGTCCCGTCCGCGCTGAATCCCGCGGACGACCGTCTCGG
GGCCGTTTGGGACTCTACCGTCCCTTCTTTCATCTGCCGTTCCGGCCGACCACGGGGCGC
ACCTCTCTTTACGCGGTCTTTTGTCTGTGCCTTCTCATCTGCCGGTCCGTGTGCACTTC
GCTTCACCTCTGCACGTGCGATGGAGACCACCGTGAACGCCACCAGGTCTTGCCCAAGG
TCTTACATAAGAGGACTCTTGGACTCTCAGCGATGTCAACGACCGACCTTGAGGCATACT
TCAAAGACTGTTTGTAAAGGACTGGGAGGAGTTGGGGGAGGAGATTAGGTTAAAGGTCT
TTGTACTAGGAGGCTGTAGGCATAAATTGGTCTGTTACCAGCACCATTGCAACTTTTTCA
CCTCTGCCTAATCATCTCATGTTCCTACTGTTCAAGCCTCCAAGCTGTGCCTTGG
>EP11218 (+) GSHV 3.5 kb P1+; range -499 to 100.

ATAGCCGCTGCTTGGCTCGCTGCTGGACAGGAGCTCGGTTGTTGGGCACTGATAACTCC
GTGGTCTCTCCGGTAAGCTAACTTCGTTTCCATGGCTGCTCGCTGTGTTGCCAACTGG
ATTCTTCGCGGGACGTCTTCTGTTACGTCCCTCCGCGGACAACCCAGCGGACCTTCCG
TCTCGGGGACTTCTGCCGGCTCTCCGTCTCTGCCGTTCTGCGTTTTCTGCCGGTCACC
AAGCGGATATCCCTGTGGGCCGCTCCCGCCTGTTTCTACTCGTCGGCCGGTCCGTGTT
GCTTGGGCTTACCTGTGCAGACTTGCGAACCATGGATTCCACCGTGAACCTTGTACCCT
GGCATGTCAAAGCGAGCTGGGCATGATGCAAAAGGACTTTTGGACTGCTTATATAAGAG
ATCAATTATTAACCTTATGGGAGGAGGTATCATCGATCCTAGGCTGAAATTATTTGTAT
TAGGAGGCTGTAGGCATAAATACATGTGAATGCTGGAATCATGTATCTTTTTACCTGTG
CCTTGTTTTTGCCTGTGTTCCATGTCCTACTGTTCAAGCCTCCAAGCTGTGCCTTGGATG
>EP11215 (+) HBV(ad4) 3.6 kb P2; range -499 to 100.

AACTTATCGGCACCGACAACCTCTGTTGCTCTCTCGGAAATACACCTCCTTTCCATGGC
TGCTAGGGTGTGCTGCCAACTGGATCCTGCGCGGGACGTCTTTGTCTACGTCCCGTCCG
CGCTGAATCCCGCGGACGACCGTCTCGGGCCGTTTGGGACTCTACCGTCCCTTCTTC
ATCTGCCGTTCCGGCCGACACGGGGCGCACCTCTCTTACGCGGTCTTTTTGTCTGTGC
CTTCTCATCTGCCGGTCCGTGTGCACTTCGCTTACCTCTGCACGTGCGATGGAGACCAC
CGTGAACGCCACCAGGTCTTGCCCAAGGTCTTACATAAGAGGACTCTTGGACTCTCAGC
GATGTCAACGACCGACCTTGAGGCATACTTCAAAGACTGTTTGTAAAGGACTGGGAGGA
GTTGGGGGAGGAGATTAGGTTAAAGGTCTTTGTACTAGGAGGCTGTAGGCATAAATTGGT
CTGTTACCAGCACCATTGCAACTTTTTACCTCTGCCTAATCATCTCATGTTTCATGCTCT
ACTGTTCAAGCCTCCAAGCTGTGCCTTGGGTGGCTTTGGGGCATGGACATTGACCCGTAT
>EP11216 (-) GSHV 3.5 kb P2; range -499 to 100.

GGACAGGAGCTCGGTTGTTGGGCACTGATAACTCCGTGGTCTCTCCGTAAGCTAACTT
CGTTTCCATGGCTGTCTCGCTGTGTTGCCAACTGGATTCTTCGCGGGACGTCTTCTGTT
ACGTCCCTCCGCGGACAACCCAGCGGACCTTCCGTCTCGGGGACTTCTGCCGGCTCTCC
GTCCTCTGCCGTTCTGCGTTTTCTGTCGGTCAACAAGCGGATATCCCTGTGGGCCGCT
CCCCGCTGTTTCTACTCGTCGGCCGGTCCGTGTTGCTTGGGCTTACCTGTGCAGACTT
GCGAACCATGGATTCCACCGTGAACCTTGTACCCTGGCATGCTAAGCGACAGCTGGGCAT
GATGCAAAAGGACTTTTGGACTGCTTATATAAGAGATCAATTATTAACCTTATGGGAGGA
GGGTATCATCGATCCTAGGCTGAAATTATTTGATTAGGAGGCTGTAGGCATAAATACAT
GTGAATGCTGGAATCATGTATCTTTTTACCTGTGCCTTGTGTTTGCCTGTGTTCCATGT
CCTACTGTTCAAGCCTCCAAGCTGTGCCTTGGATGGCTTTGGGACATGGACATAGATCCC
>EP26009 (+) DHBV 3.3 kb; range -499 to 100.

ATGCTGCTATTACTAACCAGTAACTTTAGCTTCTCTTCATCCTATAGGACTTTGTTAT
ATAAACTAACCATGGGTGTGTGTAATTAAGAATAAAGCCAAAGTCCTCTGTACCTTTGC
CACGTGTAGCTACAGATGCTACCCCAACACATGGCGCAATATCCCATATCACCGCGGGGA
GCGCAGTGTTTACTTTTTCAAAGGTGAGAGATATACATGTTTCAAGCACTATTGATGTCTT
GTTTAGCTAAATAATGATTAAACCGCGCTGTCTTATCTGATTCAACTTTGTTTGCC
ATAAGCGTTTATCAGACTTTACCATGGCAATTTGCTATGTTGGCCAAACAATTGCTCAAAC
CTATACAATTGTACTTTGTCCCGCAAAATATAATCCTGCTGACGGCCATCCAGGCACA
AACCTCTGATTGGACGGCTTTTCCATACACCCCTCTCTCGAAAGCAATATATATTCCAC
ATAGGCTATGTGGAACCTAAGAATTACACCCCTCTCCTTCGGAGCTGCTTGCCAAGGTAT
CTTTACGTCTACATTGCTGTTGCTGTGTGACTGTACCTTTGGTATGTACCATTGTTTA
>EP11219 (+) HBV(ad4) 2.2 kb P1; range -499 to 100.

CATTAAACCATATTATCCTGAACATGCAGTTAATCATTACTTCAAACTAGGCATTATTT
ACATACTCTGTGGAAGGCGGGCATTCTATATAAGAGAGAACTACACGAGTGCCTCATT
CTGTGGGTACCATATTCTTGGGAACAAGAGCTACAGCATGGGAGGTTGGTCTTCCAAAC
CTCGACAAGGCATGGGGACGAATCTTTCTGTTCCCAATCCTCTGGGATTCTTTCCCGATC
ACCAGTTGGACCTGCGTTCCGGAGCCAACCTCACACAATCCCGATTGGGACTTCAACCCCA
ACAAGGATCATTGGCCAGAGGCCAAATCAGGTAGGAGCGGGAGCATTGGGGCCAGGGTTCA
CCCCACCACACGGCGGTCTTTTGGGGTGGAGCCGCGAGGCTCAGGGCGTATTGACAACCG
TGCCAGTAGCACCTCTCTGCTCCACCAATCGGCAGTCAGGAAGACAGCCTACTCCCA
TCTCTCCACCTTAAGAGACAGTCATCCTCAGGCCATGCAGTGGAACCTCCACAACATTCC
ACCAAGCTCTGCTAGACCCAGAGTGAGGGGCCTATACTTCTCTGCTGGTGGCTCCAGTT
>EP11220 (-) GSHV 2.3 kb P1; range -499 to 100.

GAAAAAATCAGACAACCTCTACTTTTAGAGGTAACCATATTCTTGGGAACACAGACAGC
TAGAGCAACATAATGGGCAACACATAAAAAGTAACATTTCGATCCCAACAAATTAGCTGCA
TGGTGGCCAACAGTGGGAACCTTATTATACCCCACTACCACTGACAAATCCAGCAATA
TTCAAACCAGGAATTTATCAGACAACGTCTTTAAAAAATCCAAAGAATCAACAAGAGTTA
GATGCTATACTTATGACAAGATACAAAGAAATAGATTGGGACAATTGGCAAGGATTCCCT
GTGAATCAAAGGCTCCAGTGAGCAACAACATCTCCCTCAGGTCAAAGGGCAGAGACT
TTCGAAATCAAATCCAGGCCTATAATAGTTCCAGGAATAAGGGATATACCACGTGGCATA
GTACCACCTCAGACTCCATCCAATCGGGATCAAAGAAGAAAACCCACACCTCTAACTCCT
CCTTTGAGAGACACACACCCTCATTTGACAATGAAAAATCAGACAGGTACCTGCAGGGA
TTTGACAGAGGACTGAGAGCTTAACCACCTCAGATCATCACAACCTCTGCCTATGGAGAT
>EP11221 (-) HBV(adr4) 2.2 kb P2; range -499 to 100.

AATCATTACTTCAAAACTAGGCATTATTTACATACTCTGTGGAAGGCGGGCATTCTATAT
AAGAGAGAAACTACACGCAGTGCCTCATTCTGTGGGTACCATATTCTTGGGAACAAGAG
CTACAGCATGGGAGGTTGGTCTTCCAAACCTCGACAAGGCATGGGGACGAATCTTTCTGT
TCCCAATCCTCTGGGATTCTTTCCCGATCACCAGTTGGACCCTGCGTTCGGAGCCAACTC
ACACAATCCCGATTGGGACTTCAACCCCAACAAGGATCATTGGCCAGAGGCAAATCAGGT
AGGAGCGGGAGCATTCTGGGCCAGGGTTACCCACCACACGGCGGTCTTTTGGGGTGGAG
CCCGCAGGCTCAGGGCGTATTGACAACCGTGCCAGTAGCACCTCCTCCTGCCTCCACCAA
TCGGCAGTCAGGAAGACAGCCTACTCCCATCTCTCCACCTCTAAGAGACAGTCATCCTCA
GGCCATGCAGTGGAACTCCACAACATTCCACCAAGCTCTGCTAGACCCCAAGAGTGAGGGG
CCTATACTTTCTGCTGGTGGCTCCAGTTCCGGAACAGTAAACCCTGTTCCGACTACTGC
>EP11222 (+) GSHV 2.3 kb P2+; range -499 to 100.

TATTCTTGGGAACACAGACAGCTAGAGCAACATAATGGGCAACAACATAAAAAGTAACATT
CGATCCCAACAAATTAGCTGCATGGTGGCCAACAGTGGGAACCTTATTATACCCCACTAC
CACCGTGACAAATCCAGCAATATTCAAACCAGGAATTTATCAGACAACGTCTTTAAAAAA
TCCAAAGAATCAACAAGAGTTAGATGCTATACTTATGACAAGATACAAAGAAATAGATTG
GGACAATTGGCAAGGATTCCCTGTGAATCAAAGGCTCCAGTGAGCAACAACAATCCTCC
CTCAGGTCAAAGGGCAGAGACTTTGAAATCAAATCCAGGCCTATAATAGTTCCAGGAAT
AAGGGATATACCACGTGGCATAGTACCCTCAGACTCCATCCAATCGGGATCAAAGAAG
AAAACCCACACCTCTAACTCCTCTTTGAGAGACACACACCCTCATTTGACAATGAAAAA
TCAGACAGGTACCTGCAGGGATTTGCAGAGGGACTGAGAGCTCTAACCACCTCAGATCA
TCACAACCTCTGCCTATGGAGATCCTTTTACTACACTAAGCCCTGTGGTACCTACTGTCTC
>EP26010 (+) DHBV 1.8 kb; range -499 to 100.

AATGGAAAGTACCAGATATTTTCGGATACTCATTTTAATTTAGATGTAGTGAATGAGTGCC
CTTCCCGAAATTGGAAATATTTGACTCCAGCCAAATTCTGGCCCAAGAGCATTTCCTACT
TTCCTGTCCAGGTAGGGGTTAAACCAAAGTATCCTGACAATGTGATGCAACATGAATCAA
TAGTAGGTAAATATTTAACCAGGCTCTATGAAGCAGGAATCCTTTATAAGCGGATATCTA
AACATTTGGTAACATTTAAAGGTCAGCCTTATAATTGGGAACAGCAACACCTTGTAATC
AACATCACATTTATGATGGGGCAACATCCAGCAAAATCAATGGACGTCAGACGGATAGAA
GGAGGAGAAATATTGTTGAATCAACTAGCCGGAAGAATGATCCCAAAGGGACTTTGACA
TGGTCAGGCAAGTTTCCAACACTAGATCACGTATTAGACCATGTGCAAACAATGGAGGAG
ATAAACACCCTCCAGAATCAGGGAGCTTGGCCTGCTGGGGCGGGAAGGAGAGTAGGATTA
TCAAATCCGACTCCTCAAGAGATTCTCAGCCCCAGTGGACTCCCGAAGAAGATCAAAAA