Lezione 13

La lezione è centrata su un esercizio per impratichirsi sui seguenti argomenti:

- realizzazione di un ambiente interattivo testuale
- alberi binari di ricerca rappresentati con puntatori

Chi notasse eventuali incoerenze o errori, oppure avesse dubbi sul contenuto di queste pagine e dei codici, è pregato di segnalarmeli per contribuire a migliorare la qualità dei materiali del corso.

Problema

Si vuole scrivere un programma ricerca.c che carica da un file di testo un insieme di numeri interi tutti diversi tra loro e permette all'utente di eseguire una serie di operazioni sull'insieme stesso:

- member i: chiede al programma di indicare se il numero intero i fa parte dell'insieme oppure no;
- insert i: chiede al programma di aggiungere il numero intero i all'insieme;
- delete i: chiede al programma di cancellare il numero intero i dall'insieme;
- print: chiede al programma di stampare l'insieme per valori crescenti;
- empty: chiede al programma di indicare se l'insieme è vuoto oppure no;
- min: chiede al programma di indicare l'elemento minimo dell'insieme;
- max: chiede al programma di indicare l'elemento massimo dell'insieme;
- exit: chiede al programma di terminare.

Formati di ingresso e di uscita Il file di ingresso che contiene l'insieme iniziale dei numeri interi li riporta semplicemente uno dopo l'altro separati da spazi o a capi. Per esempio:

95 77 748 40 242 303 793 573 247 727 87 491 832 594 302 229 967

All'istruzione member i (dove i è un numero indicato dall'utente), il programma risponde stampando a video i in T oppure i non in T, a seconda del risultato.

All'istruzione print il programma risponde stampando a video i numeri in ordine crescente, su una sola riga, separati da spazi bianchi.

All'istruzione empty il programma risponde stampando a video T e' vuoto o T non e' vuoto secondo il risultato.

Alle istruzioni min e max il programma risponde stampando min(T) = i oppure max(T) = i, dove i è l'elemento minimo o massimo richiesto (per insiemi vuoti, useremo valori convenzionali).

Traccia della risoluzione

Prima di eseguire l'esercizio, si possono scorrere interamente i lucidi per acquisire il concetto di dizionario, di albero binario di ricerca e le basi della implementazione degli alberi binari di ricerca con puntatori.

L'esercizio parte dal file ricerca0.c, che contiene solo la consueta funzione InterpretaLineaComando per recuperare il nome del file dalla linea di comando e copiarlo nella corrispondente variabile.

Prima fase (ricerca.c) Avviamo la realizzazione *top-down* dell'algoritmo scomponendo il problema in due fasi, risolte da corrispondenti funzioni chiamate nel main, dichiarate fra i prototipi prima del main e definite dopo il main (all'inizio vuote, poi da riempire):

- 1. CaricaABR: carica i numeri interi dal file indicato nella linea di comando in un albero binario di ricerca;
- 2. EsegueComandi: riconosce ed esegue i comandi forniti dall'utente da tastiera.

La prima funzione si limita ad

- aprire il file;
- creare un albero vuoto;
- leggere i numeri dal file;
- inserirli via via nell'albero;
- chiudere il file :
- restituire l'albero.

L'implementazione è estremamente semplice, ipotizzando di aver disponibili le funzioni per creare un albero vuoto e per inserirvi numeri interi. Queste funzioni (e le altre introdotte nei lucidi) sono dichiarate nel file abr.h, mentre il file abr0.c ne contiene le definizioni vuote. La dichiarazione della struttura dati è praticamente identica a quella dell'albero binario discussa nella lezione precedente. La differenza principale è che il dato contenuto in ogni nodo è un semplice numero intero val, anziché un operando e/o un operatore, ma questo dipende banalmente dallo specifico problema che stiamo affrontando. Rispetto alla definizione astratta, si è aggiunta una funzione di stampa ordinata.

La seconda funzione è abbastanza interessante, perché realizza (diversamente da tutti gli esercizi svolti sinora) un programma che interagisce con l'utente per un tempo indefinito, finché questi non indica di terminare. Il programma consiste in un semplice ciclo che:

- legge da tastiera l'operazione indicata dell'utente;
- riconosce l'operazione e il suo eventuale operando;
- esegue l'operazione.

La lettura dell'operazione può avvenire con la funzione gets, ma è più sicuro usare la funzione fgets(Comando,ROW_LENGTH,stdin);, che nasce per la lettura da file di testo, ma si può adattare alla lettura da tastiera specificando stdin come il file da leggere, e ha il vantaggio di specificare il numero massimo di caratteri letti, in modo da evitare che si superi la dimensione della stringa di lettura Comando.

Per riconoscere l'istruzione, osserviamo che vi sono due categorie di operazioni: quelle con un operando intero (da member a delete) e quelle senza operandi. La funzione sscanf, applicata sulla stringa Comando con la stringa di formato "%s %d" distingue i due casi in base al fatto che essa restituisce 2 nel primo caso e 1 nel secondo. Definita la classe cui appartiene l'operazione, si può identificarla esattamente confrontando l'operando con quelli sopra elencati. Un modo alternativo di procedere potrebbe essere di indicare esplicitamente gli operandi nella stringa di formato (per esempio, sscanf(Comando, "member %d",&val);)¹ e usare una cascata di costrutti di selezione (if ... else if ...). Una volta identificata l'operazione, basta chiamare la corrispondente funzione di gestione dell'albero e stampare il risultato a video nel formato richiesto.

Seconda fase (abr1.c) La fase successiva dell'esercizio richiede di cominciare a realizzare la libreria per la gestione dell'albero binario di ricerca. Cominciamo con le funzioni più semplici:

- creaABR: crea un albero vuoto;
- distruggeABR: distrugge un albero binario di ricerca;
- ABRvuoto: restituisce TRUE se l'albero è vuoto, FALSE altrimenti;
- insertABR: restituisce l'albero ottenuto aggiungendo un elemento all'albero dato.

Le prime tre funzioni non riguardano il contenuto informativo, ma solo la topologia dell'albero, che è identica a quella dell'albero binario. Non stupisce quindi che siano identiche alle corrispondenti funzioni dell'albero binario. Anche la loro complessità sarà la stessa: costante per la creazione e il test di vuotezza, lineare per la distruzione.

La funzione insertABR e quelle che vedremo nelle fasi successive dell'esercizio, invece, tengono conto del contenuto informativo, e quindi sono abbastanza diverse da quelle dell'albero binario. In particolare, in un albero binario di ricerca la posizione degli elementi è assegnata automaticamente, anziché essere indicata in modo esplicito, come negli alberi binari. L'implementazione qui descritta tende ad avvicinarsi a quella delle dispense del corso, ma vi sono le seguenti differenze:

- 1. le dispense fanno in genere l'ipotesi semplificativa che l'albero su cui si opera non sia vuoto, mentre qui consideriamo il caso generale;
- le dispense assumono che i valori da inserire nell'albero non ne facciano già parte e quelli da cancellare ne facciano parte, mentre qui consideriamo anche i casi rimanenti;
- 3. le dispense assumono che le funzioni passino i parametri per indirizzo, mentre in C i parametri vengono passati per valore;
- 4. per semplificare alcuni passaggi faremo uso della funzione creanodoABR, che coincide con la funzione costruiscealbero descritta nella lezione precedente²; nelle dispense vengono invece usate le funzioni CREA_NODO_SIN e CREA_NODO_DES.

¹Lo spazio iniziale nella stringa di formato serve per riconoscere il comando anche nel caso in cui l'utente digiti qualche spazio prima della parola chiave member.

²Nell'ultima versione del codice ho semplificato la funzione, cancellando il passaggio dei due sottoalberi figli (vuoti), che è inutile. Rimane vero il fatto che la funzione è strettamente legata a costruiscealbero.

La funzione ausiliaria creanodo ABR viene usata solo all'interno della libreria, ma non è accessibile all'utente esterno, per mantenere la libreria vicina alla struttura astratta descritta nei lucidi. Affinché possa essere chiamata dalla funzione insertABR, deve essere definita prima di quella, in modo che il compilatore l'abbia già letta quando arriva a occuparsi della funzione chiamante.

Procediamo con la funzione insertABR, al solito con un'implementazione ricorsiva:

- primo caso base: se l'albero è vuoto, la funzione creanodoABR restituisce la soluzione, cioè un nuovo albero con due sottoalberi vuoti e il nuovo dato come informazione associata alla radice;
- secondo *caso base*: se il nuovo dato coincide con la radice dell'albero corrente, si esce senza far nulla, restituendo l'albero corrente;
- caso ricorsivo: a seconda che il nuovo dato preceda o segua quello associato alla radice, si considera il sottoalbero sinistro o destro e si procede ricorsivamente nel sottoalbero individuato; al termine, si restituisce l'albero corrente (questo è importante, perché il nuovo dato inserito modifica la radice di uno degli alberi incontrati durante l'esecuzione e quindi bisogna accertarsi che tale radice sia modificata).

La complessità di un inserimento è proporzionale al numero di chiamate ricorsive, dato che ad ogni chiamata si esegue un numero costante di operazioni. Quindi, è proporzionale alla profondità h dell'ABR: Θ (h). L'intera costruzione di un ABR di n elementi ha quindi complessità in Θ (hn). La profondità h è compresa fra $\log_2 n$ e n, secondo che l'albero sia più o meno bilanciato. Vale il caso pessimo quando gli elementi vengono inseriti in ordine crescente o decrescente, e quindi scendono via via sempre nel sottoalbero destro o sinistro. Vale il caso ottimo quando gli elementi vengono inseriti in modo del tutto casuale, e quindi i vari sottoalberi tendono ad avere tutti la stessa profondità.

Terza fase (abr2.c) Nella fase seguente, realizziamo le funzioni di consultazione dell'albero, cioè:

- stampaABR: stampa a video gli elementi dell'albero in ordine crescente;
- memberABR: determina se un dato elemento appartiene o no all'albero;
- minABR: restituisce l'elemento minimo dell'albero;
- maxABR: restituisce l'elemento massimo dell'albero.

Con la funzione stampaABR ci mettiamo in grado di vedere l'albero caricato da file, verificando che il codice sia corretto semanticamente, e non solo sintatticamente. La funzione si riduce a una semplice visita in in-ordine, dato che, per definizione, il valore conservato nella radice di un albero è segue quelli contenuti nel sottoalbero sinistro e precede quelli contenuti nel sottoalbero destro. Ci si può chiedere se stampare qualcosa nel caso di albero vuoto: conviene non farlo perché durante la visita ogni foglia dell'albero ha due alberi vuoti, e quindi otterremmo molte stampe non desiderate. La funzione è ovviamente lineare nel numero degli elementi $(\Theta\left(n\right))$, come nel caso degli alberi binari.

Procediamo con le funzioni di interrogazione dell'albero, partendo da memberABR. L'implementazione è ricorsiva:

• primo caso base: se l'albero è vuoto, l'elemento cercato non sta nell'albero;

- secondo *caso base*: se l'elemento cercato coincide con quello conservato in radice, ovviamente sta nell'albero;
- caso ricorsivo: a seconda che il nuovo dato preceda o segua quello associato alla radice, si riapplica la funzione al sottoalbero sinistro o a quello destro.

Qui la complessità è proporzionale al numero di chiamate ricorsive, cioè alla profondità h dell'albero: $\Theta(h)$. Siccome la chiamata ricorsiva è terminale, è possibile ricavare facilmente e meccanicamente una semplice implementazione iterativa. Le varie chiamate ricorsive, in effetti, consistono semplicemente nel salvare sulla pila di sistema i vari sottoalberi visitati (sinistri o destri secondo l'esito del confronto fra il valore di i e quello conservato nel nodo corrente). Giunti al caso base:

- se si arriva a un sottoalbero vuoto, si restituisce falso;
- se la radice coincide con i, si restituisce vero.

La ricerca dell'elemento minimo con minabra ammette anch'essa un'implementazione ricorsiva di complessità $\Theta(h)$:

- 1. primo caso base: se l'albero è vuoto, restituisce un valore convenzionale corrispondente a $+\infty$;
- 2. secondo *caso base*: se la radice dell'albero non ha un sottoalbero sinistro, il suo valore associato è l'elemento minimo, e viene direttamente restituito;
- 3. caso ricorsivo: se l'albero ha un sottoalbero sinistro, si riapplica la funzione a tale sottoalbero.

Ancora una volta, la chiamata ricorsiva è terminale, ed è possibile ricavare un'implementazione iterativa in modo meccanico. Anziché salvare sulla pila di sistema i vari sottoalberi visitati (sempre sottoalberi sinistri). Al termine della ricorsione, si arriva al caso base, in cui la foglia non ha un sottoalbero nella direzione richiesta, e l'algoritmo restituisce il valore associato alla foglia individuata. Di conseguenza, l'implementazione iterativa di minabra consiste nel:

- restituire $+\infty$ se l'albero è vuoto;
- scendere lungo il sottoalbero sinistro finché si arriva a un nodo che non ha più tale sottoalbero, e restituire il valore associato al nodo.

Per la funzione maxABR, valgono considerazioni assolutamente analoghe a minABR, con la sola differenza che sia l'implementazione ricorsiva sia quella iterativa scendono sempre lungo il sottoalbero destro e che la funzione restituisce $-\infty$ se l'albero è vuoto.

Quarta fase (abr3.c) Per concludere, affrontiamo la funzione più complessa dell'esercizio, cioè la funzione deleteABR, che cancella un elemento da un albero dato. Ancora una volta la funzione è ricorsiva:

- primo caso base: se l'albero è vuoto, non fa nulla;
- caso ricorsivo: a seconda che il dato da cancellare preceda o segua quello associato alla radice, riapplica la funzione al sottoalbero sinistro o a quello destro:
- secondo *caso base*: se l'elemento da cancellare è conservato in radice, si possono distinguere due casi:

- se la radice ha un solo nodo figlio (o nessuno), si può direttamente appendere tale figlio (se esiste) al nodo padre, "cortocircuitando" l'albero;
- se la radice ha due figli, eliminarla compromette la struttura gerarchica dell'albero; la soluzione è (come nella cancellazione da tabelle) sovrascriverla con un altro elemento, e cancellare quest'ultimo, ma per non compromettere l'ordine totale degli elementi bisogna scegliere in modo oculato quale cancellare.

Discutiamo in maggiore dettaglio le due operazioni più complicate delineate più sopra. L'operazione che "cortocircuita" l'albero è abbastanza semplice a parole, ma presenta molte piccole differenze a seconda che il figlio esista o no, che sia a sinistra o a destra e che vi sia un nodo padre a cui appendere il figlio oppure no (se si cancella la radice, non esiste un nodo padre). Per semplicità di lettura, e per essere fedeli alla modalità top-down, accorpiamo il tutto in un'apposita funzione ABR toglienodoABR (ABRnodo *n, ABR T), che elimina un nodo n da un albero T restituendo il nuovo albero T modificato. La funzione procede come segue:

- 1. determina l'unico sottoalbero esistente (eventualmente nessuno);
- 2. se c'è un sottoalbero lo appende al padre (eventualmente assente);
- 3. se c'è un padre, determina in quale sottoalbero del padre sta il nodo da cancellare e sostituisce ad esso il sottoalbero del nodo cancellato;
- 4. finalmente, dealloca il nodo.

La funzione può essere usata solo se il nodo ha al massimo un figlio, e per efficienza non controlla che la condizione sia rispettata: lo deve fare l'utente. Non riportiamo tale funzione nel file di intestazione abr.h perché non è verosimile che un utente esterno lo usi per operare sull'albero e perché la funzione presuppone esplicitamente un'implementazione a puntatori nella definizione del suo secondo argomento, che è un nodo *. Affinché possa essere chiamata dalla funzione deleteABR, deve essere definita prima di quella, in modo che il compilatore l'abbia già letta quando arriva a occuparsi della funzione chiamante.

Nel caso in cui invece il nodo da cancellare abbia due figli, bisogna cercarne un altro che sia cancellabile semplicemente e che possa essere messo al posto di quello da cancellare senza compromettere l'ordinamento totale. Un possibile candidato è l'elemento massimo che precede quello da cancellare³, dato che è certamente una foglia e che si può spostare senza cambiare l'ordine complessivo. Per trovare tale nodo, definiamo una funzione argmaxABR che esegue le stesse operazioni di maxABR, ma restituisce un nodo anziché un dato, e la applichiamo al sottoalbero sinistro del nodo da cancellare. In questo modo, troviamo il massimo del sottoalbero sinistro, che è esattamente il nodo cercato. Anche questa funzione, che è di servizio e usa esplicitamente (nel tipo del risultato) l'implementazione a puntatori, non comparirà nel file di intestazione, ma verrà semplicemente definita prima della funzione chiamante deleteABR. Ottenuto il nodo, ne copiamo il dato sulla radice e lo cancelliamo, dato che ora è un duplicato. Possiamo usare toglienodoABR senza compromettere la struttura perché il nodo certamente non ha un sottoalbero destro. Nel complesso, anche nel caso pessimo, la complessità è proporzionale al numero di chiamate ricorsive, cioè alla profondità h dell'albero: $\Theta(h)$.

 $^{^3\}mathrm{Un}$ altro sarebbe l'elemento minimo che lo segue.