



UNIVERSIDAD
DE GRANADA

MODELOS EPIDEMIOLÓGICOS

ANA BUENDÍA RUIZ-AZUAGA

Trabajo Fin de Grado

Doble Grado en Ingeniería Informática y Matemáticas

Tutores

Teresa E. Pérez

Manuel Pegalajar Cuéllar

FACULTAD DE CIENCIAS

E.T.S. INGENIERÍAS INFORMÁTICA Y DE TELECOMUNICACIÓN

Granada, a 4 de julio de 2021

ÍNDICE GENERAL

1. HERRAMIENTAS BÁSICAS	3
1.1. Tipos de modelos	3
1.1.1. Modelo SI	3
1.1.2. Modelo SIS	5
1.1.3. Modelo SIR	5
Bibliography	5

HERRAMIENTAS BÁSICAS

1.1 TIPOS DE MODELOS

Los modelos discretos (por ejemplo SI, SIR y SIS) usan las etiquetas Susceptible, Infectious y Recovered. Los nombres suelen hacer referencias al flujo que se sigue para pasar entre las etiquetas. Así, por ejemplo un modelo SI pasa de susceptible a infectado, uno SIR de susceptible, infectado y recuperado y SIS alterna entre susceptible e infectado.

En estos modelos se hacen dos suposiciones:

1. La población se mezcla de manera homogénea, es decir, todos los individuos tienen la misma probabilidad de contraer la enfermedad.
2. El total de la población es constante.

1.1.1 Modelo SI

Es el modelo más simple de todos, los individuos nacen siendo susceptibles a una enfermedad, y una vez infectados no hay tratamiento y permanecen infectados el resto de su vida. Un ejemplo de una enfermedad que pueda modelarse usando SI es el herpes.

$$S_{n+1} = S_n \left(1 - \frac{\alpha \Delta t}{N} I_n \right) \quad (1)$$

$$I_{n+1} = I_n \left(1 + \frac{\alpha \Delta t}{N} S_n \right) \quad (2)$$

Con condiciones iniciales $S_0 > 0$, $I_0 > 0$ y $S_0 + I_0 = N$.

En estas ecuaciones α es la tasa de contacto, esto es, el número medio de individuos con los que un infectado tiene suficiente contacto para contagiarlo en un intervalo de tiempo. Por tanto, S_n representa el número de individuos susceptibles en el tiempo $n\Delta t$.

Ahora, imponemos las suposiciones descritas anteriormente para estos modelos. Empezamos por la segunda: La población total se mantiene constante, que es trivial que se cumpla siempre, ya que sumando el sistema de ecuaciones el resultado es N y asumimos que las soluciones son siempre positivas (las soluciones negativas no tienen sentido). Para imponer que las ecuaciones tienen soluciones positivas: En el caso de la S_n una condición necesaria y suficiente es $\alpha\Delta t \leq 1$.

Buscamos ahora ver cuál es el comportamiento del sistema, si calculamos los puntos de equilibrio del sistema, para lo que resolvemos:

$$\begin{cases} S^* = S^* \left(1 - \frac{\alpha\Delta t}{N} I^*\right) \\ I^* = I^* \left(1 + \frac{\alpha\Delta t}{N} S^*\right) \\ S^* + I^* = N \end{cases}$$

Los únicos puntos de equilibrio posibles son: $S^* = 0, I^* = N$ y $S^* = N, I^* = 0$, y como sabemos que tenemos condiciones iniciales positivas y S_n es monótonamente decreciente e I_n es monótonamente creciente, entonces debe converger a $S^* = 0, I^* = N$.

Aquí en el artículo (Allen, página 3) [1] lo hace de otra manera, sin sustituir el $S+I=N$ en el sistema y eso lo hace luego en forma alternativa, pero dice que eso añade restricciones por obtenerse la ecuación logística y no lo entiendo bien. ¿Qué hace al principio si no sustituye del sistema? ¿De dónde salen las restricciones extra de la ecuación logística?

Expresando α como una tasa podemos obtener las ecuaciones diferenciales análogas de la siguiente manera:

$$\frac{S_{n+1} - S_n}{\Delta t} \approx \frac{dS}{dt}$$

luego su análoga continua es:

$$\frac{dS}{dt} = -\frac{\alpha}{N} SI \quad (3)$$

$$\frac{dI}{dt} = \frac{\alpha}{N} SI \quad (4)$$

con condiciones iniciales $S(0) + I(0) = N$.

De manera análoga al caso discreto, podemos comprobar que este sistema converge a $S^* = 0, I^* = N$ y, por tanto, tiene el mismo comportamiento que el caso discreto.

Aquí llega al final de la página 3 del pdf del artículo de Allen[1], pero no entiendo bien como calcula el punto de equilibrio al que converge el sistema continuo

La página 4 del artículo sigue haciendo cosas que no entiendo y me pierdo bastante

1.1.2 *Modelo SIS*

Es similar al SI, pero tras infectarse los individuos vuelven a ser susceptibles. Por ejemplo, los resfriados pueden modelarse usando SIS.

1.1.3 *Modelo SIR*

Comienza como el SI, pero tras infectarse los individuos pasan a un estado Recuperado, en el cuál no pueden infectarse ni infectar a otros. Por ejemplo, la varicela.

BIBLIOGRAFÍA

- [1] Linda JS Allen. Some discrete-time SI, SIR, and SIS epidemic models. *Mathematical biosciences*, 124(1):83–105, 1994.