算法基础 笔记

原生生物

*顾乃杰老师算法基础课堂笔记 [以 * 开头的行代表动机与注释等，** 开头的行代表补充内容]

目录

一　算法概念与数学基础

定义：输入-> 算法-> 输出
可计算问题 [computational problem]：对输入输出要求的说明
问题的**实例** [instance]：某个求解需要的具体输入
(排序算法中，输入数组、输出排好的数组是问题，而一个具体的乱序数组则是实例)
正确性：要求对任何输入能正确给出输出 (**随机算法**可能一定程度违反)
学习算法的意义：确定解决方式的正确性、选择容易实现的算法，比较时空复杂度
***算法效率比电脑速度更重要**

§1.1　算法简介与分析

伪代码书写：注重表达清楚，不关注语言细节
约定：**缩进**表示块结构、循环结构与 C 类似解释、//代表注释、变量如无特殊说明表示局部变量

举例：插入排序 (就地 [in-place] 排序，需要的额外空间为 $O(1)$，即常量)

```
def INTERSECTION-SORT(A):
  for (j <- 2) to length(A)
    key <- A[j]
    i <- j-1
    while (i > 0 and A[i] > key)
      A[i+1] <- A[i]
      i <- i - 1
    A[i+1] <- key
```

*如何证明正确性？
可选方法：循环不变式 [loop invariant]，保证**初始化**、**迭代**时均为真 (类似归纳)，循环**终止**时能提供有用性质 (局限性：只能用于判断循环，无法判断分支等)
插入排序中不变式：A[1..j-1] 在循环后有序
*现实：理论证明几乎无法做到，通过大量测试假定正确
**关于正确性 [correctness]：正确性指算法在程序规范下被认定为正确的判定，其中功能 [functiconal] 正确针对输入输出的行为，一般分为部分 [partial] 正确与完全 [total] 正确，前者指输出结果时结果正确，后者还额外要求必须能输出结果。

算法分析
含义：预测算法需要的资源，通常关心时间 [computational time] 与内存空间 [memory]，偶尔会涉及通信带宽、硬件使用等
为了统一评价，需要使用**统一**、**简洁**的计算模型
*对串行算法一般使用 RAM 模型 [Random-access machine]，并行则为 PRAM 模型 [Parallel RAM]

RAM 模型特点：

1. 指令一条条执行 (不存在并发)

2．包含常见算数指令、数据移动指令、控制指令，且指令所需时间为常量

*按照真实计算机设定，不应滥用

*特殊情况：如一般指数运算不是常量时间，但 2^k 通过左移可常量时间

3．数据类型有整数与浮点

*不关心精度

4．假定数据字的规模存在范围，字长不能任意长

*不关心内存层次（高速缓存、虚拟内存）

影响运行时间的主要因素：

1．输入规模

2．输入数据的分布

*将算法运行时间描述成输入规模的函数

3．算法实现所选用的底层数据结构

*思考：RAM 模型中其他影响因素？

***输入规模**与**运行时间**如何严谨定义？
输入规模 [input size]：对许多问题为输入项的个数（如排序），但有时（如整数相乘）关心的是二进制表示的总位数，有时则用两个数表示更合适（图的顶点数与边数）
*必须描述清楚输入规模的量度
运行时间 [running time]：执行的基本操作数或步数，与机器无关，一般假设每行伪代码恒定时间
*实际计算时，由于循环嵌套所需的步数不同，很可能较为复杂，于是需要二次抽象 [最终将系数抽象为独立于数据规模的常数，只关心**量级**]
最好/最坏运行时间：最快/最慢情况的运行时间（插入排序的例子中，最好为 $O(n)$，最坏为 $O(n^2)$）
平均运行时间：运行时间在所有输入下的期望值（**与数据的概率分布有关**，一般默认均匀一致分布，插入排序的例子中为 $O(n^2)$）
*平均 vs 最坏：最好运行时间的参考意义不大，而平均运行时间往往非常难以计算，因此一般采取最坏运行时间 [事实上平均运行时间往往和最坏运行时间量级相同]。最坏运行时间给定了运行时间的**上界**，课程中主要讨论最坏，偶尔讨论平均。

§1.2　设计算法

分治、**贪婪**、**动态规划**、线性规划、回溯、分支定界……

分治 [divide-and-conquer] 法：分解 [Divide]、解决 [Conquer]、合并 [Combine]
举例：归并排序（分解成子序列，对子序列排序后合成）

```
def MergeSort(A,p,r):
  if(p < r)
    q <- (p + r) / 2
    MergeSort(A,p,q)
    MergeSort(A,q+1,r)
```

```
    Merge(A,p,q,r)
  def Merge(A,p,q,r):
    n1 = q - p + 1;
    n2 = r - q
    Let L[1..n1+1],R[1..n2+1] be new arrays
    for i <- 1 to n1
      L[i] <- A[p+i-1]
    for j <- 1 to n2
      R[j] <- A[q+j]
    L[n1+1] <- R[n2+1] <- INFTY [监视哨]
    i <- j <- 1
    for k <- p to r
      if L[i] <= R[j]
        A[k] <- L[i]
        i++
      else
        A[k] <- R[j]
        j++
```

---

*采用无穷大作**监视哨**避免过多判断 (注意：一定要保证充分大)
*Merge 算法正确性：迭代时子数组 A[p..k-1] 按从小到大的顺序包含 B[1..n1+1] 与 C[1..n2+1] 中的 k-p 个最小元素

分析基于分治法的算法：递归式、**递归方程**
设 T(n) 是规模为 n 的运行时间 (当 n 在某个常数之下时可当作常数)
假设分解为 a 个子问题，每个的规模是原本 1/b，分解所需时间为 D(n)，合并所需时间为 C(n)，则总时间为：

$$T(n)=\begin{cases}\Theta(1) & n<c\\ aT(n/b)+D(n)+C(n) & otherwise.\end{cases}$$

对归并排序：$T(n)=\begin{cases}\Theta(1) & n<c\\ 2T(n/2)+\Theta(n) & otherwise.\end{cases}$，事实上复杂度为 $\Theta(n\log n)$

思考：
(1) 自底向上 [buttom-up] 通过两两归并也可实现归并排序
(2) 如何使数组 A[0..n-1] 循环左移 k 位？
法一：颠倒 0 到 k-1、颠倒 k 到 n-1、颠倒 0 到 n-1 (约 3n 次内容读写)
法二：思路：把置换拆分成轮换进行 (约 n 次内容读写)

```
  d <- gcd(n,k)
  for i <- 0 to d-1
    x <- A[i]
    t <- i
    for j <- 1 to n/d-1
```

```
    A[t] <- A[(t+k)
    t <- (t+k) mod n
  A[t] <- x
```

---

§1.3　渐进记号与递归

$f(n)=\Theta(g(n))$ 代表存在正常数 C_1,C_2,n_0 使得 $n\geq n_0$ 时 $0\leq C_1g(n)\leq f(n)\leq C_2g(n)$。
*即趋于无穷时**阶相同**，$g(n)=\Theta(f(n))$ 时亦有 $f(n)=\Theta(g(n))$
*一般证明中可以取较粗糙的 C_1,C_2,n_0，不用解出精确的点
$f(n)=O(g(n))$ 代表存在正常数 C,n_0 使得 $n\geq n_0$ 时 $0\leq f(n)\leq Cg(n)$。
*即趋于无穷时 f 的阶**不超过** g，$g(n)=\Theta(f(n))$ 时必有 $g(n)=O(f(n))$
$f(n)=\Omega(g(n))$ 代表存在正常数 C,n_0 使得 $n\geq n_0$ 时 $0\leq Cg(n)\leq f(n)$。
*即趋于无穷时 g 的阶**不超过** f，$g(n)=\Theta(f(n))$ 时必有 $g(n)=\Omega(f(n))$
$f(n)=o(g(n))$ 代表任意正常数 c 存在正常数 n_0 使得 $n\geq n_0$ 时 $0\leq f(n)<cg(n)$。
$f(n)=\omega(g(n))$ 代表任意正常数 c 存在正常数 n_0 使得 $n\geq n_0$ 时 $0\leq cg(n)<f(n)$。
*大小写区别在存在与任意，也可以理解为大写剔除 Θ
*实际使用时，$O(f(n))$ 可以代表某个满足 $g(n)=O(f(n))$ 的 $g(n)$，这样的匿名 `[anonymous]` 函数可以正常参与运算，但不应出现存在歧义的情况

渐进关系的性质：
*五种关系都具有传递性
*Θ,O,Ω 具有自反性
*Θ 与 Θ、O 与 Ω、o 与 ω 互相置换对称
**不是任何两个函数都渐进可比，例如 n 与 $n^{1+\sin n}$，不存在 O 或 Ω 关系

上/下取整
取整性质：对正整数 a,b,n，$\lceil\frac{\lceil n/a\rceil}{b}\rceil=\lceil\frac{n}{ab}\rceil,\lfloor\frac{\lfloor n/a\rfloor}{b}\rfloor=\lfloor\frac{n}{ab}\rfloor$
引理：$f(x)$ 是连续单调上升函数，且整点处才取整值，则 $\lceil f(x)\rceil=\lceil f(\lceil x\rceil)\rceil,\lfloor f(x)\rfloor=\lfloor f(\lfloor x\rfloor)\rfloor$
引理证明：对第一个式子，若 $\lceil f(x)\rceil\neq\lceil f(\lceil x\rceil)\rceil$，由单调增可知 $f(x)\leq f(\lceil x\rceil)$，从而 $\lceil f(x)\rceil<\lceil f(\lceil x\rceil)\rceil$。由向上取整定义可知 $\lceil f(x)\rceil<f(\lceil x\rceil)$，而 $f(x)\leq\lceil f(x)\rceil$，从而 $\lceil f(x)\rceil$ 在 $f(x)$ 与 $f(\lceil x\rceil)$ 之间。由连续定义知存在 x_0 使得 $f(x_0)=\lceil f(x)\rceil$，由条件知 x_0 必然为整数，但 $x\leq x_0\leq\lceil x\rceil$，其由向上取整定义只能为 $\lceil x\rceil$，与 $\lceil f(x)\rceil<\lceil f(\lceil x\rceil)\rceil$ 矛盾。另一个式子同理。
定理证明：取 $f(x)=\frac{x}{b}$，$x=\frac{n}{a}$ 即可。

其他数学：模、指数、**对数**、阶乘 (**Stirling** 公式)、函数迭代 ($f^{(n)}(x)$)
*斐波那契 [Fibonacci] 数 $a_1=a_2=1,a_n=a_{n-1}+a_{n-2}$，通项为 $\frac{1}{\sqrt{5}}\left[\left(\frac{1+\sqrt{5}}{2}\right)^n-\left(\frac{1-\sqrt{5}}{2}\right)^n\right]$
*思考：服务器每隔 g 秒送包，拥有 k 个端口 (同时发 k 个)，收到的服务器需要花 L 秒时间解压，自此每隔 g 秒给新服务器发送信息，时间与接受的服务器总数关系？(起初 1 对大兔子，大兔子每个隔 g 个月可生 k 对小兔子，小兔子需要 L 个月成熟，求第 n 个月的兔子对数？)[广义斐波那契数]
递归介绍
*递归可能分解为规模不等的子问题
求解递归方程的方法：替代法 (猜测上界后证明)、递归树法 (转化成树，结点表示不同层次产生的代价，再采用边界求和)、主方法 (求解 $T(n)=aT(n/b)+f(n)$，$a\geq1,b>1$，$f(n)$ 是某给定函数 (并非对任何都可解))

**技术细节：

1. 假定自变量整数，忽略上下取整。
2. 对足够小的 n 假设 $T(n)$ 为常数，忽略边界。

   (一些特殊情况可能导致技术细节非常重要，上面两种条件仍然值得重视)
3. 有时会存在不等式情况，如 $T(n) \leq 2T(n/2)+O(n)$，此时一般用 O 描述上界，反之对大于等于可用 Ω 描述下界。

例：最大子数组问题 (给定数组，求和最大的连续子数组)
分治策略：找到数组中央位置，任何连续子数组必然在其左侧、右侧，或包含它。左侧与右侧可直接通过递归，由此只需要找到包含中间位置的最大子数组后取最大值即可。

```
def find_max_crossing_subarray(A,low,mid,high):
  left_sum = -INFTY
  sum = 0
  for i = mid downto low
    sum += A[i]
    if (sum > left_sum)
      left_sum = sum
      max_left = i
  right_sum = -INFTY
  sum = 0
  for i = mid -> low
    sum += A[i]
    if (sum > right_sum)
      right_sum = sum
      max_right = i
  return (max_left, max_right, left_sum+right_sum)
```

整体算法：利用上方的算法进行递归，`low=high` 即为终止条件。

复杂度分析：包含中间位置的部分的复杂度为 $\Theta(n)$，递归方程为 $T(n)=\begin{cases}\Theta(1) & n=1\\ 2T(n/2)+\Theta(n) & otherwise.\end{cases}$，可发现复杂度与归并排序相同，为 $\Theta(n\log n)$。

*算法改进 ($\Theta(n)$ 算法)：从左侧开始，找到第一个大于 `0` 的位置 `i1` 开始，依次求和 `(sum+=A[j])`，`max1` 记录目前的最大值，并记录当前的 `j1`。直到 `sum<0` 时中止，然后继续向右找到下一个大于 `0` 的位置 `i2`，清空 `sum`，重复此过程，在比较中得到 `maxk` 中的最大值即可 (证明思路：反证，若否则可以拼接为更大)。

```
def find_max_subarray(A, low, high):
  now <- low
  sum <- 0
  max <- -INFTY
```

```
for now <- low to high
  if (sum > 0)
    sum += A[now]
    if (sum > max_now)
      j_now <- now
      max_now <- sum
    if (sum <= 0 or now == high)
      if (max_now > max)
        i_max <- i_now
        j_max <- j_now
        max <- max_now
      sum <- 0
  else if (A[now] > 0)
    max_now <- sum <- A[now]
    i_now <- j_now <- i
return (max,i_max,j_max)
```

§1.4 判断方法

替代法

包含两个步骤：猜测解的形式、归纳常数（直接替代）并证明解正确（要求易于猜得）

例：针对 $T(n)=2T(\lfloor n/2\rfloor)+n$，先猜测解为 $T(n)=O(n\log n)$，选取常数 $C>T(2)+1$ 即可。

更复杂的例子：求 $T(n)=2T(\lfloor n/2\rfloor+17)+n$ 的解的上界。

解法（平移的思路）：令 $n=m+34$，可发现 $T(m+34)=2T(\lfloor m/2\rfloor+34)+m+34$，由此 $T(m+34)+34=2(T(\lfloor m/2\rfloor+34)+34)+m$ 类似上一种情况可直接估算出上界。

*猜测出渐近界未必能归纳成功，有时是因为归纳假设偏弱，可以尝试加强假设、调整低阶项、初等变换等，如 $T(n)=2T(\lfloor n/2\rfloor)+1$，归纳假设 cn 无法继续，假设为 $cn-2$ 即可。

*不应将猜测无理由放大

*变量代换：对 $T(n)=2T(\lfloor\sqrt{n}\rfloor)+\log n$，取 $m=\log n$ 可发现最终结果为 $O(\log n\log\log n)$。

**弊端：猜测、证明都可能困难

递归树

每个结点代表相应子问题代价，行和代表某层代价，总和得总代价

*一般用来获得猜测解再替代，省略大部分细节。也可细化直接解出结果。

例：$T(n)=3T(\lfloor n/4\rfloor)+\Theta(n^2)\Longrightarrow T(n)=3T(n/4)+cn^2$ 简化，接着画出递归树求得复杂度大约为 $\sum_{i=0}^{\infty}\frac{3^i}{16^i}cn^2=c'n^2$，因此为 $\Theta(n^2)$ 量级。

代价不相同：$T(n)=T(n/3)+T(2n/3)+O(n)$，作出递归树可发现每层的和为 cn，再由行数（通过解方程可计算出层数具体值，不过估算中没有精确必要）为 $O(\log n)$ 可知复杂度 $O(n\log n)$。同理，对于 $T(n)=T(n/4)+T(n/2)+n^2$，可类似算得结果为等比级数的 n^2 倍，仍为 n^2 量级。

*关键为求行和与总代价，需要上下行和的关联

主方法

主要适用范围：$T(n)=aT(n/b)+f(n)$，其中 $a\geq 1,b>1$，f 渐近非负。
主定理 [The master theorem]：若 $f(n)=O(n^{\log_b a-\varepsilon}),\varepsilon>0$，则 $T(n)=\Theta(n^{\log_b a})$；若 $f(n)=O(n^{\log_b a}\log^k n)$，则 $T(n)=\Theta(n^{\log_b a}\log^{k+1} n)$；若 $f(n)=\Omega(n^{\log_b a-\varepsilon}),\varepsilon>0$，且 $af(n/b)\leq cf(n)$，则 $T(n)=\Theta(f(n))$。
*三种情况存在间隙，可能无法判断（如 $T(n)=3T(n/3)+\log\log^2 n$），并不代表递归方程无解

§1.5　摊还分析

思路：考虑**一系列操作**的可能的**最坏情况**的**平均**复杂度为
*不涉及概率问题，与平均复杂度分析不同

例：栈操作
只有 PUSH 和 POP 时，视二者代价为 1，则操作的平均代价必然为 1。
在 PUSH 和 POP 上增添一个 MULTIPOP(k)，一次允许弹出多个元素（最多到栈底），其代价实际上为 min(s,k)，其中 s 代表栈中元素。
*加入此操作后，n 次操作的平均代价？
虽然 MULTIPOP 的上限代价为 $O(n)$，但由于最多入栈 n 次，出栈也最多 n 次，实际上平均代价仍为 $O(1)$。

例：二进制计数器
k 位二进制计数器，将每位的修改作为代价 1。在允许加法时，一次加法最高需要修改 k 位，但是 n 次的总代价可以估算为 $\frac{n}{2}+2\frac{n}{4}+3\frac{n}{8}+\cdots=O(n)$，于是平均代价仍为 $O(1)$。

核算法 [accounting method]
给每个操作赋予**摊还代价**，保证每次操作摊还代价的总和不小于实际代价（而当某步摊还代价比实际代价大时，将其称为**信用**，用来支付之后的差额）。
*栈操作的例子中，PUSH 的摊还代价为 2，其余全为 0；对二进制计数器，假设 0 到 1 操作 [置位] 的摊还代价为 2，1 到 0 操作 [复位] 的摊还代价为 0，由于每次增加恰好产生一次置位，而复位时每个为 1 的位都保留信用支付，因此可得到结论。

势能法 [potential method]
对每个状态定义**势函数** [映射到实数]，一般初始状态为 0。将摊还代价定义为**代价 + 操作后的势-操作前的势**。
*栈操作的例子中，势为栈中元素个数；对二进制计数器，势为数中 1 的个数。可发现得到的摊还代价与核算法中一致。
*通过势能法分析，当二进制计数器计数器不是从零开始时，这样的定义仍然合理，于是 n 个操作的实际代价为 $2n+b_n-b_0$，b 为势函数。于是，充分大时平均复杂度仍然 $O(1)$。

二　排序与顺序统计

一些概念
稳定性：不论输入数据如何分布，关键字相同的数据对象（如两个 3）在整个过程中保持相对位置不变
内排序/外排序：是/否在内存中进行
时间开销：通过比较次数与移动次数衡量
评价标准：所需时间 [主要因素]、附加空间 [一般都不大，矛盾不突出]、实现复杂程度

§2.1　简单排序与希尔排序

直接插入、简单选择、冒泡
希尔排序：调用直接插入，不稳定，复杂度更低。

*直接插入见第一章
简单选择：n-1 遍处理，第 i 遍将 a[i..n] 中的最小元与 a[i] 交换。比较次数 $O(n^2)$，移动次数最多 $3(n-1)$，平均时间复杂度 $O(n^2)$。需要常数额外空间，就地排序。存在跨格跳跃，分析可发现不稳定。
冒泡：至多 n-1 遍处理，第 i 遍在 a[i..n] 中依次比较，相邻交换，某次发现没有需要交换时结束。比较次数 $O(n^2)$，移动次数亦为最多 $O(n^2)$，平均时间复杂度 $O(n^2)$。稳定就地排序。
希尔 [shell] 排序：又称缩小增量排序，看作有增量的子列进行插入排序，对位置间隔较大的结点进行比较以跨过较大距离。性能与增量序列有关，尽量避免序列中的值互为倍数，优于直接插入。
*最后一趟必须以 1 作为增量以保证正确
*由于几趟后接近分块有序，希尔排序的实际效率大大优于直接插入排序。复杂度分析非常困难，统计结论一般时间复杂度在 $O(n^{1.25})$ 左右，而空间效率也很高。虽然如此，其理论最有复杂度亦无法达到 $O(n\log n)$。

```
def ShellPass(A,d):
  for i <- d+1 to n
    if (A[i]<A[i-d])
      A[0] <- A[i]; j <- i-d;
      while (j>0 and A[0] < A[j])
        A[j+d] <- A[j]
        j <- j-d
      A[j+d] <- A[0]
def ShellSort(A,D):
  for i <- 1 to length(D)
    ShellPass(A,D[i])
```

§2.2　堆排序

堆 [heap] 排序：集中了归并排序与插入排序的优点，时间复杂度 $O(n\log n)$，空间复杂度 $\Theta(1)$。使用堆 [heap] 数据结构，不止可以用在堆排序中，还可以构造另一种有效的数据结构：优先队列。
**和内存的“堆”并不是同一个东西
(二叉) 堆定义：树上每个结点对应数组中一个元素的完全二叉树，分为大根堆 [父结点大于等于其任何子结点] 与小根堆 [父结点小于等于其任何子结点]，排序算法中使用大根堆。
*表示堆的数组 A 有两个属性：数组元素个数 [length] 与数组中属于堆的元素的个数 [heapsize]，heapsize<=length，数组的第一个元素代表根结点。
下标 1 开始的数组中，由于其为完全二叉树，可各层顺序排列，A[i] 的父结点是 [i/2]，左孩子 2i，右孩子 2i+1。
*[标准定义] 满 [full] 二叉树：每层均为满；完全 [complete] 二叉树：最后一层的结点都在左侧，未必满；严格 [strict] 二叉树：每个结点的孩子都为零个或两个
*0 开始：A[i] 的父结点是 [(i-1)/2]，左孩子 2i+1，右孩子 2i+2。
结点高度：该结点到叶结点最长简单路径上边的数目 (堆的高度：根结点的高度，为 $\lceil\log_2(n+1)\rceil$)。

基本操作

维护堆：假定 A[i] 的左右子树都为大根堆，但 A[i] 有可能小于其孩子，则通过逐级下降使得下标为 i 的根结点子树重新遵循大根堆。

```
def MAX_HEAPIFY(A, i):
  l = LEFT(i)
  r = RIGHT(i)
  if l <= A.heap_size and A[l] > A[i]
    Largest = l
  else
    Largest = i
  if r <= A.heap_size and A[r] > A[Largest]
    Largest = r
  if (Largest != i)
    swap A[i], A[Largest]
    MAX_HEAPIFY(A, Largest)
```

*每次至少下移一层，时间复杂度 $O(\log n)$。

建堆：从后往前进行转化，一半处开始即可。

```
def BUILD_MAX_HEAP(A):
  A.Heap_size <- A.length
  for i <- [A.length/2] downto 1
    MAX_HEAPIFY(A, i)
```

*求和估算可知时间复杂度 $O(n)$。

堆排序：建好堆后，每次将根结点 [当前最大] 与最后一个元素互换，堆长度减小 1，然后调整堆。

```
def HEAPSORT(A):
  BUILD_MAX_HEAP(A);
  for i <- length(A) downto 2
    swap A[1], A[i]
    A.Heap_size -= 1
    MAX_HEAPIFY(A, 1)
```

二叉堆的扩展：**优先队列 [并不是堆的基本操作！]**

*用来维护一组元素构成的集合 S 的数据结构，每个元素都有一个相关值，称**关键字 [key]**

最大优先队列 [可用大根堆构造] 基本操作：

1. insert(S,x) 插入元素进 S

2. maximum(S) 返回 S 中最大关键字元素

3. extract_max(S) 去掉并返回 S 中最大关键字元素

4. increase_key(S, x, k) 将 x 的关键字增加到 k [只允许增加]

*最小优先队列类似相反
*大根堆实现时，最大关键字元素即为第一个元素 [复杂度 $O(1)$]；删除最大值直接将最大值与最后一个元素交换，堆长度减小 1 并调整即可 [复杂度 $O(\log n)$]；增大某元素值通过不断和父结点比较交换实现 [复杂度 $O(\log n)$]；加入结点堆长度增加 1，先将末尾元素赋值为 $-\infty$ 再增大值到目标即可 [复杂度 $O(\log n)$]。

§2.3　快速排序

对于包含 n 的数的输入数组，时间复杂度最坏情况 $O(n^2)$，不稳定、就地，期望时间 $\Theta(n\log n)$ 且常数因子很小。
*分治思想
划分：划分为左右两个子数组与中间，使得左侧均小于等于中间，右侧均大于等于中间，中间下标 q 在划分中确定。
解决：递归调用，两边分别排序。
合并：由于子数组有序，合并直接已经排好。

```
def QUICKSORT(A, p, r):
  if (p < r)
    q = Partition(A, p, r)
    QUICKSORT(A, p, q-1)
    QUICKSORT(A, q+1, r)
def PARTITION(A, p, r):
  x <- A[r]
  i <- p - 1
  for j <- p to r-1
    if A[j] <= x
      i <- i + 1
      swap A[i], A[j]
  swap A[i+1], A[r]
  return i + 1
```

另一种 PARTITION：

```
def PARTITION(A, p, r):
  i <- p; j <- r; temp <- A[i];
  while (i != j)
    while (A[j] >= temp and i < j)
      j <- j - 1
    if (i < j)
      A[i] <- A[j]
```

```
      i <- i + 1
    while (A[i] <= temp and i < j)
      i <- i + 1
    if (i < j)
      A[j] <- A[i]
      j <- j - 1
  A[i] <- temp
  return i
```

---

*看似双方向进行，但由于**必须检查越界**，需要额外比较

复杂度：分解均匀时接近归并，不均匀时最坏情况，为 $O(n^2)$
*解递推式 $T(n)=\max_q(T(q)+T(n-1-q))+Cn$ 可知最坏情况上界，而每次最不均匀划分能取到 cn^2 时间，从而可知最坏情况复杂度
平均情况：可以发现，对任何不超过固定比例 (如每次少比多不超过 1:9) 的划分，复杂度都是 $O(n\log n)$，利用此估算，设平均复杂度 $T(n)$，有 $T(n)=\frac{1}{n}\sum_{k=0}^{n-1}(T(k)+T(n-1-k)+cn)=\frac{2}{n}\sum_{k=0}^{n-1}T(k)+cn$。考虑 $nT(n)-(n-1)T(n-1)$ 可估算出 $\frac{T(n)}{n+1}\le\frac{T(n-1)}{n}+\frac{2c}{n}$，利用 $1+\cdots+\frac{1}{n}\sim\log n$ 可知平均复杂度。

随机快速排序：每次 PARTITION 并非将最右元素作为分割，而是**选取随机元素**分割以优化性能。

**堆排序与快速排序比较：按照通常 RAM 模型会发现堆排序的复杂度更低，而引进一级缓存 (缓存的量级在 $n^{1/3}$ 左右) 时即会有快速排序的复杂度更低。

§2.4 线性时间排序

比较排序的时间下界
比较排序的算法可以用**决策树**的方式表示，边代表判定过程，而结点代表已经确定顺序的部分。
*决策树中至少需要 $n!$ 个叶结点表示 $n!$ 种判定结果
定理：比较排序的最坏情况时间 $\Omega(n\log n)$。
证明：由于一次比较产生一层，比较 h 次的高度为 h，而此时最多容纳 2^h 个叶结点，因此 $2^h\ge n!$，从而 $h\ge\log(n!)=\Omega(n\log n)$。
*线性时间排序一定不能直接基于比较

计数 [counting] 排序
思路：对 0 到 k 中的整数组成的数列，只要知道每个整数出现了几次就会知道结果所在的位置。

```
def COUNTING_SORT(A, B, k):
  for i <- 0 to k
    C[i] <- 0
  for i <- 1 to length(A)
    C[A[j]] <- C[A[j]] + 1 //C[t] = sum(A==t)
  for i <- 1 to k
    C[i] <- C[i] + C[i-1] //C[t] = sum(A<=t)
  for i <- length(A) downto 1
    B[C[A[j]]] <- A[j]
```

```
    C[A[j]] <- C[A[j]] - 1
```

*考虑四个循环可发现其复杂度为 $\Theta(n+k)$，且为稳定排序。

基数 [radix] 排序

思路：对整数，按位数从末位向前排序 (对每位采用稳定排序算法，如计数排序)。

时间复杂度：n 个 d 位数，每位 k 种取值，计数排序时耗时 $O(d(n+k))$

*由上方可知，给定 n 个 b 位二进制数与正整数 $r \leq b$，时间复杂度可以控制在 $\Theta(b(n+2^r)/r)$ 内。

桶 [bucket] 排序

思路：对 0 到 1 之间，先划分所有数据到 n 个不同的“桶”内再进行排序。

```
def BUCKET_SORT(A):
  n <- length(A)
  for i <- 1 to n
    insert A[i] into list B[floor(nA[i])]
  for i <- 0 to n-1
    sort list B[i] with insertion sort
  Print B[i] in order
```

时间复杂度：针对**均匀一致分布**才能达到较好效果，最坏情况 $O(n^2)$。平均性能较好，为 $\Theta(n)$。

§2.5 中位数与顺序统计

定义：第 i 小的元素称为第 i 个顺序统计量，n 个元素的低中位数为第 $\lfloor \frac{n+1}{2} \rfloor$ 个顺序统计量，高中位数为第 $\lceil \frac{n+1}{2} \rceil$ 个，一般默认为低中位数。

*寻找最大或最小值时间复杂度必然为 $\Theta(n)$，但同时找最大最小值问题至少可通过 $\lceil \frac{3n}{2} \rceil - 2$ 次比较完成。

证明：记 N 状态为从未参与过比较，L 状态为参与过但只大不小，S 为参与过但只小不大，M 为参与过且小大都成为过，则状态间的转换关系为 N->L/S->M。所有元素只有一个能保证 L/S 不变，即为最大/最小，剩下的都会成为 M，总状态转换数为 $2(n-2)+1+1=2n-2$。

下面考虑一次比较能造成的状态转换：只有当 N 与 N 比较时一定会有两次状态转换，其余在最坏情况下至多一次状态转换 [严谨性问题：整体最坏未必每次都能遇到最坏]。由此最坏情况至少 $\frac{n}{2}+\left(2n-2-(2\frac{n}{2})\right) = \frac{3n}{2}-2$，而由于比较次数一定为整数，需要取上整，即为结果。

算法：先每两位进行比较，将小的放在奇数位置。在偶数位中找到最大值，奇数位中找到最小值即可。

思考：找第二大元素需要的最少比较次数？

寻找任意第 i 小元素：类似快速排序，通过 PARTITION 后左右元素数量确定应在哪一侧找。

```
def RANDOMIZED_SELECT(A, p, r, i):
  if p == r:
    return A[p]
  q = RANDOMIZED_PARTITION(A, p, r)
  k = q - p + 1
  if i == k:
    return A[q]
```

```
    if i < k:
      return RANDOMIZED_SELECT(A, p, q-1, i)
    else:
      return RANDOMIZED_SELECT(A, q+1, r, i-k)
```

---

*采用随机 PARTITION 增加效率
复杂度：最坏情况是 $\Theta(n^2)$，平均性能为 $\Theta(n)$ (假设均匀一致分布，可通过随机变量计算得结果)。
*最坏情况 $O(n)$ 的算法：针对划分不均匀情况改进，使划分均匀。
想法：将数组每五个分组，插入排序找到中值，再从排好序的组列表中提出中值。递归调用，利用中值的中值作 PARTITION。
证明：3.3 节提到，PARTITION 对任何**不超过固定比例**的划分都是较好的，而估算可知这样的取中值方式可以保证两侧的比例不超过 3:7。计算时间复杂度：

$$T(n) \le T(n/5) + an + \max\{T(left), T(right)\} \le an + T(n/5) + T(7n/10)$$

猜测可解出 $T(n) \le 10an$，从而为 $O(n)$。

三　算法设计基本策略

§3.1　动态规划

Richard Bellman, 1950s: 最优性原理、动态规划 [dynamic programming]
与分治法相似，但保存已求解的子问题，**不需要重复求解**。
最优化问题：寻找符合**约束条件**时**优化函数**的最值
*可行解 (满足约束条件的解)、最优解 (获得最佳值的可行解)
例子 (Thirsty baby)：有 n 种不同饮料，每种最多有 a_i，满意度为 x_i，总共需要 t，求满意度最高的饮用方法。
*评价函数为 $\sum_{i=1}^{n} x_i s_i$，x_i 总和为 t 且范围为 $[0, a_i]$。
最优性原理 [过程的最优决策序列的性质]：无论过程的初始状态和初始决策是什么，其余的决策必须相对初始决策产生的状态构成最优决策序列 (也即从任何一步开始看都是最优的)。
*全局最优具有一定的局部最优性
刻画最优解的结构特征-> 递归定义最优解值-> 自底向上计算最优解值-> 通过计算信息构造最优解

能用动态规划求解的条件：**最优子结构** [optimal substructure]、**子问题覆盖**
*这要求了全局最优存在某种局部最优，且局部最优可以导出全局最优
运行时间估计：子问题个数乘子问题最多需要考察的选择数得到上界
常用方法：自底向上，先计算子问题再计算原问题 [或带记忆的递归方法]
**不满足最优性原理的例子：对有向图，寻找两点间的最短路径满足最优性原理，但最长简单 [无环] 路径不满足最优性原理。
思考：如何求解最长简单路径问题？
子问题覆盖：会涉及重复求解子问题，于是可以存储、利用
*利用表格存储辅助信息，从而递归**构造**最优解

例：**钢条切割**
已知长度为 i 的钢条价格 p_i，长度均为整数，总长固定，求最大收益的分割方案。

思路：每次只需要考虑第一次切割 (或不切割)，剩下的部分可以由更低长度时的最优值 [最优子结构]确定
定义 r_n 为长为 n 的钢条的最优切割方案，递推为 $r_n = \max_{0\le i\le n/2}(r_i + r_{n-i})$。
*事实上可以将 i 的范围提到 n，r_i 写为 p_i，因为长度已经确定
*自顶向下的递归写法会导致大量重复计算，因此需要**自底向上**
[递归若检测是否已经计算过子问题，仍可做到多项式复杂度]

```
def BOTTOM_UP_CUT_ROD(p, n):
  let r[1..n] be array
  r[0] = 0
  for j = 1 to n
    q = - INFTY
    for i = 1 to j
      q= max(q, p[i] + r[j-i])
    r[j] = q
  return r[n]
```

获得最优解的方法：将每个 r[i] 第一次切割的位置保存为 c[i]，反复回看以确定最优解
打印方式：

```
while n > 0:
  print(c[n])
  n -= c[n]
```

*时间复杂度：$\Theta(n^2)$

矩阵链乘
*直接计算的方法：A(1:p,1:q) 与 B(1:q,1:r) 相乘的复杂度是 pqr
给定 n 个矩阵组成的序列 $A_1,\dots,A_n$，且前一个的行数等于后一个的列数，要计算它们的乘积，求计算速度最快的运算顺序 (由结合律可任意加括号)。
*总运算顺序可能：通过递推可知为**卡特兰数** [Catalan Number]
自顶向下分析：在最优顺序中，考虑最后一次运算，划分出的左右两块应各自为最优运算顺序。
于是，记 m_{ij} 为 $A_i \dots A_j$ 所需的最小乘法次数，p_i 为 A_i 的列数，p_0 为 A_1 的行数，则有 $m_{ij} = \begin{cases} 0 & i = j \\ \min_k\{m_{ik} + m_{k+1,j} + p_{i-1}p_kp_j\} & i < j \end{cases}$
自底向上的方式：按照 j-i 的大小逐步向上生成 m_{ij}，需要三重循环 (j-i、j、比较)，并用额外数组 s 记录分割点。

```
def Matrix_Chain_Order(p):
  for i = 1 to n
    m[i][i] = 0
  for l = 1 to n-1
    for i = 1 to n-l
      j = i + l
```

```
      m[i][j] = INFTY
      for k = i to j-1
        q = m[i][k] + m[k+1][j] +p[i-1]*p[k]*p[j]
        if q < m[i][j]
          m[i][j] = q
          s[i][j] = k
return (m, s)
```

---

*时间复杂度：$O(n^3)$
计算最优解：

```
PRINT_RESULT(s, i, j):
  if i == j:
    print('A'i)
  else:
    print('(')
    PRINT_RESULT(s, i, s[i][j])
    PRINT_RESULT(s,s[i][j]+1,j)
    print(')')
```

思考：如果要求顺序打出，如何打印？

§3.2　更多例子

最长公共子序列
子序列定义：从左到右取出的一列**未必连续**的元素。
问题：已知两序列 X、Y，求最长公共子序列 Z。

1、最优子结构特性：
*记 X(i) 为 X 前 i 个元素构成的子串，<A,B> 为 A 与 B 的最长公共子序列，X 为 X[1..i]，Y 为 Y[1..j]，Z 为 Z[1..k]
当 X[i]==Y[j] 时，Z 必为 <X(i-1),Y(j-1)> 加上 X[i]。
否则，当 Z[k]!=X[i] 时，Z 为 <X(i-1),Y(j)>；当 Z[k]!=Y[j] 时，Z 为 <X(i),Y(j-1)>。
于是，为进行求解，需要对每个 a、b 考虑 <X(a),Y(b)>，记其长度为 $e(a,b)$。

2、构造递推解法：

$$e(a,b)=\begin{cases} e(i-1,j-1)+1 & x_a=y_b \\ \max\{e(a-1,b),e(a,b-1)\} & x_a\neq y_b \end{cases}$$

边界条件：$ab=0$ 时 $e(a,b)=0$。

3、自底向上构造：

```
def LCS_LENGTH(X, Y):
  m = length(X)
  n = length(Y)
```

```
c = zeros(m+1,n+1)
for i = 1 to m, j = 1 to n:
  if X[i] == Y[j]:
    c[i][j] = c[i-1][j-1] + 1
    b[i][j] = ”upleft”
  elif c[i-1][j] > c[i][j-1]:
    c[i][j] = c[i-1][j]
    b[i][j] = ”up”
  else:
    c[i][j] = c[i][j-1]
    b[i][j] = ”left”
return b, c
```

4、递归寻找最优解：
最优解的值为 c 右下角元素。从右下角开始按照 b 中指示行动，直到到达点的 c 为 0，每次向左上走的对应的 X 或 Y 下标构成最优解 [注意得到的序列需要进行 reverse]。

最优二分检索树
假设有 n 个互不相同的关键字 k[1..n] 从小到大排列，此外要查找的关键字在 k[i] 与 k[i+1] 之间 (查找不成功) 的情况记作 d[i]，可能出现 d[0..n]。
假定 p[1..n] 为查找 k[1..n] 的概率，q[0..n] 为结果为 d[0..n] 的概率，使得**期望查找次数** [即每个结果所在的深度加一与概率相乘求和] 最小的二分检索树称为**最优二分检索树**。
**事实上查找失败时所需要的比较次数即为深度，只有查找成功时才需要加一，教材为方便而统一为深度加一
将子问题定义为 K(i,j)，代表对 b[i..j+1] 与 k[i..j] 构造的二分检索树。假定某树是最优二分检索树，其左子树与右子树一定是对应子问题的最优二分检索树 [类似矩阵链乘，运算顺序本就相似于构造二叉树]。
于是，计算可发现代价 $m[i,j] = \min_r\{m[i,r-1] + m[r+1,j] + \sum_{s=i}^{j} p_s + \sum_{s=i-1}^{j} q_s\}$，且边界条件 $m[i,i-1] = q_{i-1}$。
*可先用 $w(i,j)$ 保存 $\sum_{s=i}^{j} p_s + \sum_{s=i-1}^{j} q_s$，从而不用每次都计算

```
def Optical_BST(p, q, n):
  for i = 1 to n+1
    e[i][j-1]=q[i-1]
    w[i][j-1]=q[i-1]
  for l = 0 to n-1, i = 1 to n-l
    j = i + l
    e[i][j] = INFTY
    w[i][j] = w[i][j-1] + p[j] + q[j]
    for r = i to j
      t = e[i][r-1] + e[r+1][j] + w[i][j]
      if t < e[i][j]
        e[i][j] = t
```

```
        root[i][j] = r
  return e, root
```

*复杂度 $\Theta(n^3)$
*事实上可以做到 n^2 复杂度：将第三重循环变为 `root[i][j-1]` 到 `root[i+1][j]`，利用抵消可以发现总和复杂度为 $\Theta(n^2)$，合理性需要严格的数学证明

§3.3　贪心算法

基本思路：每一步按照一定准则做出看上去最优的决策，不会再行修改
贪心准则：做出贪心决策的依据
实现过程：从初始解出发，每一步求出可行解的**一个解元素**。由所有元素**组合**成可行解
**贪心算法能求解时动态规划必然能求解，但贪心算法效率更高

例：**活动安排问题**
给定 `S` 由 `n` 个活动 `a[1..n]` 构成，每个有开始时间 `s[i]` 与结束时间 `f[i]`，开始时间小于结束时间，求尽量多的不会冲突的活动选择。
*不妨设按结束时间 `f[i]` 从小到大排序，增添开始结束都在 `0` 时间的与无穷时间的活动，以使下标范围 `[0..n+1]`。记 S_{ij} 为所有在第 `i` 个结束后开始，第 `j` 个开始前结束的活动，容易发现只在 `i<j` 时可能不为空。
利用动态规划的求解思路，假设 S_{ij} 中的最佳安排包含 `a[k]`，则其必然为 A_{ik}, A_{kj} 与 `a[k]` 之并 (由此，考虑 A_{ij} 的元素个数 `c[i][j]`，可通过尝试 S_{ij} 中的所有 `a[k]` 取最大值自底向上构造)。
贪心算法假设：只需要寻找使得 A_{ik} 为空的 `a[k]` 即可 [取 S_{ij} 中下标最小的活动]。
证明思路：通过替换可说明其一定可以包含此元素。
递归写法：

```
def RECURSIVE_ACTIVITY_SELECTOR(s, f, i, j)
  m = i + 1
  while m < j and s[m] < f[i]
    m++
  if m < j
    return {a[m]} ∪ RECURSIVE_ACTIVITY_SELECTOR(s, f, m, j)
  return ∅
```

*也即每次找到最早完成的活动，并去掉与之冲突的
非递归写法：

```
def ACTIVITY_SELECTOR(s, f):
  n = length(s)
  A = {a[1]}
  i = 1
  for m = 2 to n
    if s[m] >= f[i]
      A = A ∪ {a[m]}
      i = m
```

```
    return A
```

*复杂度为 $\Theta(n)$，而动态规划方法的复杂度为 $\Theta(n^2)$

设计贪心算法

*可先考虑递归问题的情况，找到其中正确的贪心选择后构造

1. 将最优子问题简化为做出选择后只剩一个子问题需要求解的形式。
2. 证明贪心选择后原问题存在最优解（即选择**安全**）。
3. 证明贪心选择后剩余子问题满足性质。

于是，贪心算法需要最优化问题具有**最优子结构**与**贪心选择性质**，后者即可以通过**局部**最优解构造出**全局**最优解。

贪心算法与动态规划对比

0/1 背包问题：已知每件物品的重量与价值，背包有承重上限，求最大价值装法。
分数背包问题：条件同上，但每个物品可以拿取一部分。
*第二个问题可以直接每次选择单位重量价值最高的物品，于是具有贪心结构，但第一个问题如此可能导致最终剩余空间不是最优（类似钢条切割时），只能采用动态规划 [其可以被拿取和不拿的子问题覆盖，于是动态规划是可行的]。

例：**哈夫曼编码**

要求：进行**变长**编码以缩减储存空间，但需要**前缀编码**（两个不同的编码具有不同前缀，于是可以区分）以避免歧义。已知每个字符出现的频率，求最优编码方式。
前缀码实现方式：构造**满**二叉树，需要编码的字符在叶结点，从根结点出发，向左表示 0，向右表示 1，靠到达每个叶结点的方式进行编码。
*于是问题转化为最优二叉树的构建
算法 [**自底向上**]：将每个结点的权值记作其左右孩子的权值之和，叶结点的权值即为频率。从每个字符作为根结点出发，每次新建根结点，将权值最小的两棵树作为其左右子树，重复 n-1 次。
*利用**优先队列**进行存储，方便每次取出最小值

```
def HUFFMAN(C):
  n = length(C)
  Q = C
  for i = 1 to n-1
    z = new node
    left[z] = x = EXTRACT_MIN(Q)
    right[z] = y = EXTRACT_MIN(Q)
    f[z] = f[x] + f[y]
    INSERT(Q, z)
  return EXTRACT_MIN(Q) # return the root
```

*根据之前的优先队列分析可发现复杂度为 $O(n\log n)$

证明最优性

引理：若 x，y 是出现最少的两个字符，则存在一种最优编码使得 x，y 对应的编码长度相同且只有最后一位不同。

证明：由于满二叉树性质，深度最深处必然会有一对叶结点，将 x，y 与这对结点替换后情况不会变差。利用引理，每次将建立的根下的叶结点**合并**为一个字符即可得到结果。

§3.4　分治策略案例

硬币问题

16 个硬币，找到其中比其他轻的假币。

直接思路：分为八组比较得结果。

分治思路：每次分两组比较，四次得到结果。

大整数乘法

* 假设位数为 n

直接相乘：$\Theta(n^2)$ 次，按照每位相乘后相加。

分治：

将其分为前 n/2 与后 n/2 位 [记 $2^{n/2}=m$]，但直接计算导致 $T(n)=4T(n/2)+O(n)$，无法改进。

改进方式：设 $X=am+b, Y=cm+d$，可发现 $XY=acm^2-((a-b)(c-d)-ac-bd)m+bd$，于是如此计算可以达到 $T(n)=3T(n/2)+O(n)$，复杂度 $O(n^{\log 3})$。

*中间采用减法而非加法是为了避免溢出

更快方法？利用快速傅里叶变换 [FFT]**，$O(n\log n)$ 解决

Strassen 矩阵乘法

*方阵相乘问题

分块矩阵可得 $\begin{pmatrix}A_1 & A_2\\ A_3 & A_4\end{pmatrix}\begin{pmatrix}B_1 & B_2\\ B_3 & B_4\end{pmatrix}$ 与直接看为每位相乘的形式一致，但是直接计算会导致 $T(n)=8T(n/2)+O(n^2)$，无法改进。

改进方式：**利用更好的组合策略**

考虑

$$D=A_1(B_2-B_4), E=A_4(B_3-B-1), F=(A_3+A_4)B_1, G=(A_1+A_2)B_4$$

$$H=(A_3-A_1)(B_1+B_2), I=(A_2-A_4)(B_3+B_4), J=(A_1+A_4)(B_1+B_4)$$

则

$$C_1=E+I+J-G, C_2=D+G, C_3=E+F, C_4=D+H+J-F$$

于是递推式变为 $T(n)=T(n/2)+cn^2$，复杂度降至 $n^{\log 7}$。

**更快方法？利用其他划分策略，目前最好上界约 $O(n^{2.376})$

残缺棋盘问题

$2^n\times 2^n$ 差一块的棋盘，要求用 3 小块的 L 形木板覆盖，求覆盖策略。

分治思路：分为四个，考虑残缺方格所在的区域，其他三个趋于用一个小 L 形盖住中间使得剩下每区域恰好残缺一个。

复杂度位为 $t(k)=4t(k-1)+c$，于是复杂度与格子数一致。由于这和 L 形板数目相同量级，这必然是**最优**的算法。

距离最近点对

平面中 n 个点，求最近点对。

直接法：挨个比较，复杂度 $\Theta(n^2)$。

分治思路：分为两组，每组内比较并组间比较。

优化方式：优化组间比较。先按一个平行 x 轴的直线分割，假设两边最近点对较小距离为 d，则组间比较只需要考虑到直线距离小于 d 的点。

*复杂度分析：由于最复杂的部分是对单坐标轴进行若干次排序，复杂度只需 $O(n\log n)$。

§3.5　快速傅里叶变换

考虑范围：代数域 [可以考虑实数/复数] 上**次数小于 n** 的多项式

相加：直接系数相加，$O(n)$。

相乘：直接计算的简单方法 $\Theta(n^2)$(实际上是计算向量的**卷积**)。

*如何达到 $\Theta(n\log n)$?

多项式表示方式：**系数**表示法 (直接表示)、**点值**表示法 (n 个不同点的取值确定)

点值表示好处：假设知道足够多点，多项式相乘只需要 $\Theta(n)$ 次

表示方法转化

*点值到系数?

做法：计算多项式**插值**

(考虑**范德蒙德行列式**可以知解的唯一性，从而点值唯一确定系数)

利用拉格朗日插值公式可以 $\Theta(n^2)$ 可以得到结果

系数到点值直接方法：$a_0+a_1(x+a_2(x+\dots))$ 计算不同点，复杂度 $\Theta(n^2)$。

*FFT 思路：选择合适的点让结果为 $O(n\log n)$?

对数复杂度方法

数学基础：n 次单位根 $\omega_n^k=\mathrm{e}^{2\pi k\mathrm{i}/n}$，$k$ 取 1 时称为单位原根，其他为原根的方幂。所有 n 次单位根构成循环群，单位原根为其生成元之一。

*一些等式：$\omega_{dn}^{dk}=\omega_n^k, 2\mid n\Rightarrow\omega_n^{n/2}=-1, \sum_{k=0}^{n-1}\omega_n^{dk}=\begin{cases}n & n\mid d\\ 0 & n\nmid d\end{cases}$

*利用**单位根**作为系数到点值的特殊点

对多项式 $\mathbf{a}(x)=a_0+\cdots+a_rx^r$，可不妨设其次数在 $n=2^t$ 以下，则令 $y_i=f(\omega_n^i)$，$i=0,\dots,n-1$，称 **y** 为 **a** 的傅里叶变换，记作 $\mathbf{y}=\mathrm{DFT}_n(\mathbf{a})$。

*计算 DFT 的复杂度是 $\Theta(n\log n)$ 的：

记 $a_0,a_2,\dots$ 构成 **b**，$a_1,a_3,\dots$ 构成 **c**，则 $\mathbf{a}(x)=\mathbf{b}(x^2)+x\mathbf{c}(x^2)$。

n 为偶数时 $(\omega_n^k)^2=\omega_{n/2}^k$，于是通过分治可知 DFT 复杂度 $T(n)=2T(n/2)+\Theta(n)$，由此为 $\Theta(n\log n)$。

```
def Recursive_FFT(a):
  n = length(a)
  wn = exp(2PI*i/n)
  w = 1
  aeven = {a[0],a[2],...,a[n-2]}
  aodd = {a[1],a[3],...,a[n-1]}
  yeven = Recursive_FFT(aeven)
  yodd = Recursive_FFT(aodd)
```

```
  for k = 0 to n/2-1
    y[k] = yeven[k] + w * yodd[k]
    y[k+n/2] = yeven[k] + w * yodd[k]
    w = w * wn
  return y
```

---

*如何计算逆变换？
由于变换可以看作 $y = V_n a$，其中 $(v_{ij})_n = \omega_n^{ij}, i, j = 0, \ldots, n-1$，计算可得 V_n^{-1} 的 (i, j) 位置为 $\frac{1}{n}\omega_n^{-ij}$
于是，$a_j = \frac{1}{n}\sum_{k=1}^{n-1} y_k \omega_n^{-kj}$，可以完全类似利用分治得到 $\Theta(n \log n)$ 的解法。
*优化：利用**蝴蝶操作 [butterfly operation]** 计算公用子表达式，归并方式计算，从而减少计算次数
*下方算法中 BIT_REVERSE_COPY 为按二进制位逆序

```
def ITERATIVE_FFT(a):
  BIT_REVERSE_COPY(a, A)
  n = length(a)
  for s = 1 to log n
    m = 2**s
    omegam = exp(2PI*i/m)
    for k = 0 to n-1 by m
      omega = 1
      for j = 0 to m/2-1
        t = omega * A[k+j+m/2]
        u = A[k+j]
        A[k+j] = u + t
        A[k+j+m/2] = u - t
        omega *= omegam
  return A
```

四　数据结构

§4.1　二分检索树

要求：左子树 $\leq$ 根 $\leq$ 右子树
检索算法：按照与根结点的比较向左/右走
最小/最大：根结点不断寻找左/右孩子，不存在时即为最小/最大，复杂度 $O(h)$。
后继：分为有右孩子与无右孩子讨论，复杂度 $O(h)$

```
def TREE_SUCCESSOR(x):
  if x.right
    return TREE_MINIMUM(x.right)
  y = x.p
  while y and x == y.right
    x = y
    y = y.p
```

```
    return y
```

---

*前驱算法与后继对称

二分检索问题：对有序数组，元素按关键字从小到大排列，任给关键字，查找出位置（或不存在）并返回。许多具体实现方法（折半查找、**Fibonacci 查找**等）

```
def Binary_Search(A, K, low, high):
  if high < low
    return 0
  else mid = (low + high) / 2
    if K = A[mid]
      return Binary_Search(A, K, low, mid-1)
    else
      return Binary_Search(A, K, mid+1, high)
```

---

*正态分布数据，不对半分：将 mid 每次更新为 low * t + high * (1-t)
**平衡二叉树与平衡旋转（思考：要使 LL、LR、RR、RL 旋转各发生一次，至少需要在空二叉树上插入多少个结点？）

插入结点

```
def TREE_INSERT(T, z):
  y = NIL; x = T.root
  while x
    y = x
    if z.key < x.key
      x = x.left
    else
      x = x.right
  z.p = y
  if !y
    T.root = z
  else if z.key < y.key
    y.left = z
  else
    y.right = z
```

删除结点
(数据结构书) 基本思路：无孩子直接删除，单孩子连接后删除，两个孩子**复制为后继**后删除后继结点
(算法书) 具体实现分为四种情形：

1. 无左孩子

   直接用右孩子替换 z（无论是否为 NIL）

2. 有左孩子无右孩子

   直接用左孩子替换 z

3. 有两个孩子，后继 y 是 z 的右孩子

   用 y 替换 z，并仅留下 y 的右孩子 (此时 y 不可能有左孩子)

4. 有两个孩子，右孩子 y 不是 z 的右孩子

   用 y 的右孩子替换 y，并用 y 替换 z

子算法：替换

```
def TRANSPLANT(T, u, v):
  if !u.p
    T.root = v
  else if u == u.p.left
    u.p.left = v
  else u.p.right = v
  if v
    v.p = u.p
```

(主算法直接利用替换与上方逻辑构造即可)
*插入与删除的时间复杂度亦为 $O(n)$
**数据随机分布时高度期望为 $O(\log n)$

§4.2 红黑树

二分检索树，此外每个结点另外保存一位结点的颜色，**红**或**黑**
*没有一条路径比另一条长出两倍，因此**近似平衡**
结点包含五个属性：color、key、left、right、p [三叉链表]
[left 或 right 的 NIL 视为叶结点，其余结点为内部结点]

1. 每个结点红色或黑色
2. 根结点黑色
3. 叶结点 (NIL) 为黑色
4. 红结点的子结点为黑色
5. 每个结点到所有后代叶结点的简单路径上黑结点数目相同

   *此数目称为结点的**黑高度** [bh]，包含叶结点，不包含自身

   *树的黑高度为根结点黑高度

性质：n 个内部结点的红黑树高度不会超过 $2\log(n+1)$
证明思路：归纳说明 x 为根的子树至少 $2^{\mathrm{bh}(x)}-1$ 个结点，又由红结点子结点为黑可知树高度不超过黑高度两倍，从而得证。
*由此之前对二分检索树的静态操作在红黑树上时间复杂度 $O(\log n)$，但插入删除可能需要调整颜色 [不过事实上仍可限制在 $O(\log n)$]

旋转

*保持红黑性质的操作，用于插入、删除

y 左孩子 x，右子树 c，x 左右子树为 ab，则 y 为中心右旋后 x 顶替 y，且 x 左子树 a，右孩子 y，y 左右子树 bc，左旋则将此操作反向。

```
def LEFT_ROTATE(T, x):
  y = x.right
  x.right = y.left
  if y.left != T.nil:
    y.left.p = x
  y.p = x.p
  if x.p == T.nil:
    T.root = y
  elif x == x.p.left:
    x.p.left = y
  else:
    x.p.right = y
  y.left = x
  x.p = y
```

右旋与左旋类似，复杂度 $O(1)$

插入

*需要在正常插入后进行调整

正常插入过程与普通二叉搜索树 INSERT 完全相同，且置新结点颜色为红色。但是插入后需要调用 RB_INSERT_FIXUP(因为此时可能出现新结点与父结点均为红)：

```
def RB_INSERT_FIXUP(T, z):
  while z.p.color == RED
    if z.p == z.p.p.left:
      y = z.p.p.right
      if y.color == RED:
        z.p.color = BLACK
        y.color = BLACK
        z.p.p.color = RED
        z = z.p.p
      else:
        if z == z.p.right:
          z = z.p
          LEFT_ROTATE(T, z)
        z.p.color = BLACK
        z.p.p.color = RED
        RIGHT_ROTATE(T, z.p.p)
```

```
    else:
      y = z.p.p.left
      if y.color == RED:
        z.p.color = BLACK
        y.color = BLACK
        z.p.p.color = RED
        z = z.p.p
      else:
        if z == z.p.left:
          z = z.p
          RIGHT_ROTATE(T, z)
        z.p.color = BLACK
        z.p.p.color = RED
        LEFT_ROTATE(T, z.p.p)
  T.root.color = BLACK
```

---

*通过复杂的分情况讨论验证正确性，由于每层最多 $O(1)$，最终复杂度 $O(\log n)$

删除

*先调用二分检索树删除，类似并进行替换 [此处需要注意颜色的传递与二分检索树 NIL 与红黑树 T.nil 的区别]

*只有在真正删除的结点 y 是黑色结点时才需要进行 fixup[由于 y 的颜色可能改变，需要记录原始颜色]

删除黑色结点时，若其为原来的根结点，而红色孩子成为根结点，则违反性质 2；若 x 与 x.p 均红，违反性质 4；由于 y 的任何祖先经过 y 的路径上黑结点个数减小 1，违反性质 5 [做法：先认为占有 y 原来位置的结点 x 有两重黑色，再去掉一层]。由此构造算法：

```
def RB_DELETE_FIXUP(T, x):
  while x != T.root and x.color == BLACK
    if x == x.p.left
      w = x.p.right
      if w.color == RED
        w.color = BLACK
        LEFT_ROTATE(T, x.p)
        w = x.p.right
      if w.left.color == BLACK and w.right.color == BLACK
        w.color = RED
        x = x.p
      else
        if w.right.color == BLACK
          w.left.color = BLACK
          w.color = RED
          RIGHT_ROTATE(T, w)
          w = x.p.right
```

```
        w.color = x.p.color
        x.p.color = BLACK
        w.right.color = BLACK
        LEFT_ROTATE(T, x.p)
        x = T.root
    else
      w = x.p.left
      if w.color == RED
        w.color = BLACK
        RIGHT_ROTATE(T, x.p)
        w = x.p.left
      if w.right.color == BLACK and w.left.color == BLACK
        w.color = RED
        x = x.p
      else
        if w.left.color == BLACK
          w.right.color = BLACK
          w.color = RED
          LEFT_ROTATE(T, w)
          w = x.p.left
        w.color = x.p.color
        x.p.color = BLACK
        w.left.color = BLACK
        RIGHT_ROTATE(T, x.p)
        x = T.root
  x.color = BLACK
```

---

*类似插入算法，分析可知复杂度 $O(\log n)$

§4.3 动态顺序统计

*数据结构扩张一般会增加维护成本，而希望维护成本可控
*例：扩张红黑树为**顺序统计树**以快速查找
在红黑树中添加域 `size`，代表子树中内部结点个数 (含自身)，而空结点大小视为 `0`
查找第 `i` 小元素：

```
def OS_SELECT(T, i, x):
  r = x.left.size + 1
  if i == r
    return x
  if i < r
    return OS_SELECT(x.left, i)
  return OS_SELECT(x.right, i - r)
```

判断结点序号：

```
def OS_RANK(T, x)
  r = x.left.size + 1
  y = x
  while y != T.root
    if y = y.p.right
      r = r + y.p.left.size + 1
    y = y.p
  return r
```

*插入、删除方式：实际改变的结点递归向上更新 size

一般扩张方式：选择基础数据结构-> 添加所需域-> 检验基本修改操作**维护附加信息**-> 添加新操作
*扩张红黑树，若新增域的值只依赖左右孩子，则插入删除可以保证在 $O(\log n)$ 完成
思路：每次插入/删除最多向上更新至根

区间树
扩张红黑树使之支持**区间构成的动态集合**上的操作
*区间用有序实数对表示，均视为闭区间，相交当且仅当 i.high >= j.low and j.high >= i.low，记为 Overlap(i, j)
*每个结点包含一个区间，查找操作为查找任意一个与给定区间相交的区间 (或不存在)
排序依据：结点对应的区间 [int] 的左端点
添加域：max，代表以某结点为根的子树中各区间右端点最大值
区间维护：x.max=max(x.int.high, x.left.max, x.right.max)

```
def INTERVAL_SEARCH(T, i):
  x = T.root
  while x != T.nil and !Overlap(i, x.int)
    if x.left != T.nil and x.left.max >= i.low
      x = x.left
    else
      x = x.right
  return x
```

*证明思路：考虑结点处向左向右都不会错过区间

§4.4 斐波那契堆

可合并堆 [最小堆]：包含优先队列操作，并且允许合并两个建立新堆 [基本操作建堆、插入、返回最小、删除最小、合并]
斐波那契堆：额外允许减小关键字、删除
**[真正实用] 二项堆实现可合并堆操作 (斐波那契堆程序设计复杂、常数项大，事实上一般不如二项堆)
斐波那契堆定义：一系列具有最小堆序的有根树集合，每个结点属性：

1. x.p 指向父结点的指针

2. x.child 指向某孩子的指针 [所有孩子连成双向循环列表，称为 child list]

3. x.degree 孩子数目

4. x.mark 上一次成为另一个结点孩子后是否失去过孩子 [初始为 false]

*所有的根也组织成环形双向列表 [root list]，H.min 指向所有根中最小的，H.n 表示结点数目
*为进行摊还分析，定义堆 H 的势函数 $\Phi(H)=t(H)+2m(H)$，t 为树的数目，m 为被标记结点的数目

建堆直接建空，H.min 为 NIL，插入结点：

```
def FIB_HEAP_INSERT(H, x):
  x.degree = 0; x.p = x.child = NIL; x.mark = FALSE
  if !H.min:
    create a root list for H containing just x
    H.min = x
  else:
    insert x in H's root list
    if x.key < H.min.key:
      H.min = x
  H.n++
```

*复杂度 $O(1)$，势函数增加 1

合并

```
def FIB_HEAP_UNION(H1, H2):
  H = MAKE_FIB_HEAP()
  H.min = H1.min
  concatenate the root list of H2 with the root list of H
  if !H1.min or (H2.min and H2.min.key < H1.min.key):
    H.min = H2.min
  H.n = H1.n + H2.n
  return H
```

*势函数为 H1 与 H2 直接求和，不变

提取最小

```
def FIB_HEAP_EXTRACT_MIN(H):
  z = H.min
  if z != NIL
    for each child x of z:
      add x to the root list of H
      x.p = NIL
    remove z from the root list of H
```

```
    if z == z.right:
      H.min = NIL
    else:
      H.min = z.right
      CONSOLIDATE(H)
    H.n -= 1
  return z
```

---

*最复杂处：CONSOLIDATE，不断将度相同的根结点合并，且维护 H.min
CONSOLIDATE 需要先计算出最大度数上界 $D(n)$，此上界为 $\log_\phi n, \phi = \frac{\sqrt{5}+1}{2}$。
证明思路：记 F_i 为斐波那契数，有 $F_{k+2} = 1 + \sum_{i=0}^{k} F_i$，而利用此性质可说明度为 k 时结点个数至少 F_{k+2}，再有斐波那契数列递推式可知结果。

```
def CONSOLIDATE(H):
  D = D(H.n)
  let A[0..D] be a new arrays initialed by NIL
  for w in root list of H:
    x = w; d = x.degree
    while A[d]:
      y = A[d]
      if x.key > y.key: swap(x, y)
      FIB_HEAP_LINK(H, y, x)
      A[d] = NIL
      d += 1
    A[d] = x
  H.min = NIL
  for i = 0 to D if A[i]:
    if !H.min:
      create a root list for H containing just A[i]
      H.min = A[i]
    else:
      insert A[i] into rootlist and set H.min if need
```

---

*FIB_HEAP_LINK 将 y 从根移到 x 的孩子并将标记设为 false
*复杂度分析：抽取最小结点的实际工作量为 $O(D(n) + t(H))$，而摊还后势函数 $m(H)$ 部分不变，$t(H)$ 最多 $D(n) + 1$，摊还代价 $O(\log n)$

关键字减值

```
def FIB_HEAP_DECREASE_KEY(H, x, k):
  if k > x.key: ERROR
  x.key = k
  y = x.p
  if y and x.key < y.key:
```

```
    CUT(H, x, y)
    CASCADING_CUT(H, y)
  if x.key < H.min.key
    H.min = x
```

*CUT 为将结点放置到根结点并设置对应属性 (p = NIL, mark = FALSE)；CASCADING_CUT 为不断向上寻找，只要结点 mark 为 TRUE 且不是根结点就进行切割，若终止不是在根结点就将 mark 设置为 TRUE。
*摊还代价为**常数** (因为改变标记会减小势)，而删除结点只需要将关键字减为**负无穷**再提取最小
红黑树与斐波那契堆无论最坏还是摊还，至少由一项重要操作时间复杂度 $O(\log n)$，又由于其基于关键字比较决定，根据排序下界可知必然有 $\Omega(\log n)$ 复杂度操作。而若关键字具有性质，如有界整数，则可以利用如 **van Emde Boas 树来加快操作，达到 $O(\log\log n)$ 复杂度。

§4.5 分离集合

分离集合定义：将 n 个元素分成若干个**不相交**的集合，需要能允许查找属于哪个、合并集合。数据结构由一些不交的动态集合组成，每个集合需要一个**代表元** [保证未修改时代表元不变]。
操作：建立包含单元素的集合 [MAKE_SET]、合并 [UNION]、确定在何处 [FIND_SET]。
摊还：假设建立单元素集合 n 次 [元素个数]，总操作 m 次，**以下的时间复杂度以此分析**。

*作用举例：图的连通分量 [思考：输出连通分支]

```
def CONNECTED_COMPONENTS(G):
  for each vertex v in G.V:
    MAKE_SET(v)
  for each edge (u, v) in G.E:
    if FIND_SET(u) != FIND_SET(v):
      UNION(u, v)
```

(判断是否在同一个连通分支只需要确定 FIND_SET 是否相等)

链表实现：头结点作为代表，每个元素有指针指向头结点
MAKE_SET 与 FIND_SET 均为 $O(1)$，只需要创建单结点链表/返回结点对应的头结点
UNION 较为复杂：由于需要更新指向头结点指针，对 n 个元素的集合复杂度为 $\Theta(n)$，考虑若干次 MAKE_SET 之后若干次合并，代价为 $O(n)$
若每次用短合并长，复杂度可控制为 $O(m+n\log n)$。

森林实现：根结点作为代表，每个元素仅指向父结点，根节点指向自己
关键：通过**按秩合并** [对每个结点维护高度上界，使较小秩的根指向较大秩的根] 与**路径压缩** [在**查找过程中**让路径上的结点父结点直接为根] 改进结果

```
def MAKE_SET(x):
  x.p = x; x.rank = 0
def UNION(x, y):
  LINK(FIND_SET(x), FIND_SET(y))
```

```
def LINK(x, y):
  if x.rank > y.rank:
    y.p = x
  else:
    x.p = y
    if x.rank == y.rank
      x.rank += 1
def FIND_SET(x):
  if x != x.p:
    x.p = FIND_SET(x.p)
  return x.p
```

---

*注意 FIND_SET 中**递归**两趟法思想的应用
**复杂度分析：最坏运行时间为 $O(m\alpha(n))$，其中 α 增长极慢，因此可以视为对元素个数线性。

五　图论算法与串匹配

§5.1　图的表示与遍历

图的表示：邻接矩阵 [顶点作为维度的 01 方阵，相连的有向边为 1]、邻接表 [每个顶点通过链表存储与其相连的顶点]
**邻接表存放顶点序号而不是内容

广度优先搜索 [BFS]
*利用队列，颜色标记是否访问过

```
def BFS(G, s):
  for each vertex u in G.V - {s}
    u.color = WHITE; u.d = INFTY; u.pi = NIL
  s.color = GRAY; s.d = 0; s.pi = NIL
  Q = EMPTYSET
  ENQUEUE(Q, s)
  while Q is not empty
    u = DEQUEUE(Q)
    for each v in G.Adj[u]:
      if v.color == WHITE:
        v.color = GRAY; v.d = u.d + 1; v.pi = u
        ENQUEUE(Q, v)
      u.color = BLACK
```

---

*复杂度 $O(|V|+|E|)$
作用：最短路径 (其中 d 存储的即是 s 到某个结点的最短路径长度)
广度优先树：每个结点的 pi 属性成为广度优先树中的父结点

深度优先搜索 [DFS]

*以下的算法是**遍历**，而广度优先若需要遍历需要在未搜索到的结点中继续寻找源结点
*利用**时间戳**记录发现与离开结点的时间 u.d 与 u.f

```
def DFS(S):
  for each vertex u in G.V
    u.color = WHITE; u.pi = NIL
  time = 0
  for each vertex u in G.V
    if u.color == WHITE:
      DFS_VISIT(G, u)
def DFS_VISIT(G, u):
  time += 1; u.d = time; u.color = GRAY;
  for each v in G.Adj[u]:
    if v.color == WHITE:
      v.pi = u
      DFS_VISIT(G, v)
  u.color = BLACK; time += 1; u.f = time
```

*复杂度 $O(|V|+|E|)$
*每个结点的 pi 属性构成**深度优先树森林**
括号化定理：每个结点的 d 域与 f 域形成的区间不会互相交叉。
证明：不妨设其中某个结点先被发现，则后发现的结点要么在先发现结点探索完后还未开始，要么包含在先发现结点遍历完的过程中，从而讨论得证。
*深度优先森林中 v 为 u 的后代当且仅当发现 u 时有从 u 到 v 的白结点路径 (利用过程容易说明)

边分类：

1. 树边 深度优先森林中的边
2. 后向边 将结点连到祖先结点的边 (包括自环)
3. 前向边 将结点连到后代 (非孩子) 结点的边
4. 横向边 其他所有边

*考虑结点处理先后可发现，**无向图**深度优先遍历的过程中只会出现树边与后向边
思考：设计算法寻找无向连通图中所有**关键结点** [去掉就不连通的结点]

拓扑排序
定义：**有向无环图**中的一个满足存在边 (u,v) 则有 u 在 v 前的全序关系
算法：DFS 中设置 u.f 之前将 u 压入栈，最后自顶向底输出栈即可。
*利用结点访问结束顺序与拓扑排序顺序相反可以实现，时间复杂度仍为 $O(|V|+|E|)$
*有向图无环当且仅当深度搜索不产生后向边

强连通分量
定义：有向图中的一个极大子集 C，满足其中任何两点互相可到达。
*定义图的**转置**为邻接矩阵转置对应的图，即顶点不变，边的方向变为反向

算法：对 G 进行 DFS，在离开结点时将结点压入栈。将图变为 G 转置 [并清空上一轮计算结果]，按照从栈顶到栈底的顺序，对白色结点进行 DFS，得到的深度优先森林中每一棵树对应一个强连通分量。
*事实上是以拓扑排序的次序进行访问
*时间复杂度仍为 $O(|V|+|E|)$
利用合并强连通分量得到的分支图**可以证明正确性

§5.2 图论问题

最小生成树
定义：所有边权值之和最小的生成树。
基本思路：从空集开始不断添加边，直到成为生成树。
性质：最小生成树部分边集合 A 中涉及的顶点记为 S，其余为 V-S，取一条最短的连接两部分的边加入，添加后 A 必然还是最小生成树的部分边。
[此性质为所有算法的基本思路]
算法：

1. 破圈法 起初包含所有边，只要有圈，就去掉其最大边，直到不存在圈。
2. Kruskal算法 将所有边排序，每次从剩下的中选最小代价的，只要不会产生环路就加入。
3. Prim算法 每次选择使入选的边**保持为一棵树**的最小的边。
4. Sollin算法：起初每个树为独立顶点，边集合为空，每步每个顶点集各自选择从其连接到外部的最短的边，连接成新的顶点集。[时间复杂度很大，适合并行]

利用分离集合实现 Kruskal 算法：

```
def Kruskal(G):
  T = EMPTYSET
  for each v in G.V:
    MAKE_SET(v)
  sort edges of G.E by increasing edge weight w
  for each (u,v) in G.E:
    if FIND_SET(u) != FIND_SET(v):
      add (u,v) into T
      Union(u, v)
  return T
```

*边集合可以用二叉堆实现，时间复杂度为 $O(|V|+|E|\log|E|)$，思考：可不可能为复杂度 $O(|V|^2)$?
Prim 算法：

```
def Prim(G, w, r):
  for each u in G.V
    u.key = INFTY; u.pi = NIL
  r.key = 0
  Q = G.V
  while Q != EMPTYSET:
    u = EXTRACT_MIN(Q)
```

```
    for each v in G.Adj[u]:
      if v in Q and w(u,v) < v.key:
        v.pi = u
        v.key = w(u,v)
```

*不断更新当前的最小距离，最终所有的 pi 看作父结点形成的树即为最小生成树
*时间复杂度为 $O(|E|\log|V|)$，事实上由于 $|E|\in[|V|-1,|V|^2]$，时间复杂度也可看作 $O(|E|\log|E|)$，与 Kruskal 算法量级相同
**目前最小生成树算法已经能做到 $O(|E|)$ 复杂度

单源最短路径问题
单源最短路径问题：给定带权有向图，求从图中一个特定源点出发到其余各个顶点的最短路径。
单源**简单**最短路径问题：给定带权有向图，求从图中一个特定源点出发到其余各个顶点的简单最短路径。
*对前者，有权值小于 0 回路时无意义，对后者仍然有意义。只有前者满足**最优性原理**。
松弛操作：

```
  def Relax(u, v, w):
    if (d[v] > d[u] + w):
      d[v] = d[u] + w
```

*Dijkstra 算法**不能对有负边的图使用**
Bellman Ford 算法：

```
  def Bellman_Ford(G, s)
    for each v in G.V:
      d[v] = INFTY
    d[s] = 0
    for i = 1 to length(G.V)-1:
      for each edge (u,v) in G.E:
        Relax(u, v, w(u,v))
    for each edge (u,v) in G.E
      if(d[v] > d[u] + w(u,v)) return NO_SOLUTION
    return TRUE
```

*复杂度 $O(|V||E|)$，$|V|-1$ 次松弛保证任何边的影响扩展到了所有路径上
*优化思路：通过合适的次序减少松弛的趟数
*对带权有向无环图，按拓扑排序结果，**从源点开始依次对其后各个顶点引出的边做松弛**，则一趟松弛即可完成。
优先队列 Dijkstra：

```
  def Dijkstra(G):
    for each v in G.V:
      d[v] = INFTY
    d[s] = 0; S = EMPTYSET; Q = V
```

```
while Q != EMPTYSET:
  u = EXTRACT_MIN(Q)
  add u to S
  for each v in G.Adj[u]:
    Relax(u, v, w(u,v))
```

*由于优先队列存储，复杂度 $O(|E|\log|V|)$
思考：是否对任何权值非负无向连通图，可以通过 Dijkstra 算法选取合适源点得到最小生成树？
[答案：否定，考虑 $w_{ab}=w_{bc}=w_{cd}=2, w_{ac}=w_{bd}=3$。]
**给定两点间的最短路径时间复杂度与单源最短路径相同，因为必须找到所有单源最短路径才能断定最短

所有点对间最短路径
无负边：直接使用 Dijkstra 算法，理论复杂度可达 $O(|V||E|\log|V|)$ 或 $O(|V|^2\log|V|+|E||V|)$(取决于优先队列实现)。

化为矩阵乘法 [**运算重载**技巧]
** 技巧意义大于实际应用
当前最短路径矩阵 D，记录每个结点的前驱矩阵 Pi 为 (π_{ij})，π_{ij} 表示 i 到 j 的最短路径中 j 的前驱结点。
*通过不断 j = Pi[i][j] 可递归找到最短路径
用邻接矩阵 W 表示所有边权，对角为 0，不连接为无穷，递归寻找：
定义 $l_{ij}^{(m)}$ 为 i 到 j 的途径至多 m 条边的最短路径长度，当 m 为 1 时即为 W，由定义发现递推关系 $l_{ij}^{(m)}=\min_k(l_{ik}^{(m-1)}+w_{kj})$，而最终所求的结果即为 $l_{ij}^{(n-1)}$，利用动态规划即可求解。
*直接动态规划复杂度 $O(|V|^2|E|)$ 或 $O(|V|^4)$
优化：将每次的 $L^{(m)}$ 视为矩阵 L，重定义矩阵乘法：
原本乘法 $c_{ij}=\sum_{i=1}^{n}a_{ik}bkj$，将其中乘法重定义为加法，加法重定义为取最小值，则可类似矩阵乘法计算(核心：由于加法对取最小值可分配，仍然具有**结合律**)，由于计算幂可以两两累加，效率能得到提升。
*复杂度可以为 $|V|^3\log|V|$

Floyd-Warshall 算法
考虑 $l_{ij}^{(m)}$ 为 i 到 j 的顶点序号最大为 m 的最短路径，这时有递推 $l_{ij}^{(m)}=\min\{l_{ij}^{(m-1)}, l_{im}^{(m-1)}+l_{mj}^{(m-1)}\}$，从而仍然利用动态规划只需 $O(|V|^3)$。
*Pi 的确定：若递推中左侧较小则不变，右侧较小则更新成为 $\pi_{mj}^{(m-1)}$

```
def FLOYD_WARSHALL(W):
  n = rows(W)
  D = W
  for k = 1 to n:
    for i = 1 to n, j = 1 to n:
      d[i][j] = min(d[i][j], d[i][k] + d[k][j])
  return D
```

*空间复杂度 $\Theta(|V|^2)$，注意到更新顺序使得不需要新建 D，原地迭代即可
*传递闭包：用或代替 min，与代替 +，01 邻接矩阵，计算后为传递闭包

稀疏图 Johnson 算法 [权值重定义技巧]
*更新所有边的权值使其均非负，然后对每点利用 Dijkstra
定理：给每点 x 赋予权值 h(x)，边权 w(u,v) 更新为 w'(u,v) = w(u,v) + h(u) - h(v)，则更新后最短路径与更新前相同。
证明：由于路径中裂项相消，起点到终点的任何路径改变恒为 h 的差，因此最短不变。
*如何构造 h?
加入新顶点 s，到任何点都连有权为 0 的边，对点 x，将 s 到 x 的最短路径值设为 h(x)。由定义可发现 h(x) 小于等于 0，当不存在负边时一定为 0。
*这样赋予后利用三角不等式 h(v) <= h(u) + w(u,v) 可以证明新权值非负
思考：为何需要加入新顶点 s? [未必存在某点能到达所有其他点]
于是，算法的过程为：加入 s、计算单源最短路径、更新边、计算所有点间最短路径，二叉堆实现复杂度为 $O(|V||E|\log|V|)$，稀疏图时优于 Floyd-Warshall。

§5.3 串匹配算法

串匹配问题：在文本 [T, text] 串中找到一个或所有模式 [P, pattern] 串
*找所有只需要实现找单个后不断右移
n 代表 T 的长度，m 代表 P 的长度，n 一般远大于 m。σ, Σ, Σ^* 代表字符集大小、字符集与字符串 [允许为空]，C_n 表示比较次数，一般作为衡量标准。
一些定义：若 x 存在分解 wy，则称 w 为 x 的前缀，y 为 x 的后缀，记作 $w \sqsubset x, y \sqsupset x$。对 P[1..m]，记 P_k 代表其前 k 个字符，T_k 同理。
后缀重叠引理：若 $x \sqsupset z, y \sqsupset z$，则 $|x| \le |y| \Rightarrow x \sqsupset y, |x| \ge |y| \Rightarrow y \sqsupset x, |x| = |y| \Rightarrow x = y$。
*算法基本原理为**滑动窗口机理**，利用大小等于模式长度的窗口对文本串进行扫描，每次匹配后按需要右移窗口，直到超出文本右端。

1. 从左到右 Rabin-Karp, KMP
2. 从右到左 Boyer-Moore, Horspool
3. 任意顺序 Brute Force(原始算法)

Brute Force
*每个位置检查，最坏情况 $O(mn)$

```
def BRUTE_FORCE(T, P):
  i = 0
  while i <= n - m:
    j = 0
    while j < m and P[j+1] == T[i+j+1]: j++
    if j == m: report match at i-j+1
    i++
```

*如何避免重复计算的发生？[保存部分匹配信息]

KMP 算法

*思想：当前指针只右移不倒退，遇到不成功匹配后充分利用前一部分信息。

先计算 Next[j+1] = max(k+1，使得 P[1..k] 是 P[1..j] 的**后缀**)

```
def Next(P):
  j = 0
  for i = 1 to m:
    Next[i] = j
    while j > 0 and P[i] != P[j]:
      j = Next[j]
    j++
```

*复杂度 $O(m)$

**书中定义的 pi[i] = Next[i+1] - 1

```
def KMP(T, P):
  j = 1
  for i = 1 to n:
    while j < 0 and T[i] != O[j]:
      j = Next[j]
    if j == m: return i - m + 1
    j++
  return None
```

*总复杂度 $O(m+n)$，当重复多时效果更好 (如二进制文件)

Boyer-Moore 算法

思路：每次自右向左匹配后缀，确定不匹配时最多能移动多少位，移动情况分为 Gs[好后缀] 与 Bc[坏字符] 两种。

Horspool 的简化

*当字符的可能性相对模式长度很大时 [如单词搜索]，坏字符移动效果很好

坏字符移动：P 的某个后缀和 T 某段匹配，更前一位并不匹配时，设此时 T 中对应字符为 b，找到 P 中从右向左第一次出现 b 的位置，并移动使两个 b 对齐 (若不出现，直接移动过 T 中 b 的位置)。

```
def PRE_BC(P, m, Bc):
  for i = 1 to ASIZE: Bc[i] = m
  for i = 1 to m-1: Bc[P[i]] = m - i
def HORSOPPL(P, T):
  PRE_BC(P, m, Bc)
  i = m
  while i <= n:
    k = 1
    while k <= m and P[m-k+1] == T[i-k+1]:
      k++
```

```
    if k == m: report match at i-m+1
    else: i += BC[T[i]]
```

---

*最坏情况时间复杂度 $O(mn)$，平均比较次数在 $\left(\frac{n}{\sigma}, \frac{2n}{\sigma+1}\right)$

Rabin-Karp 算法

思路：利用哈希函数检测文本与模式中“相似”的部分，并进一步检查匹配。

先写出 ord 函数将字符集对应为 0 到 sigma-1 的数，再构造哈希表，一个长度为 m 的词 w 的哈希函数定义为：

$$\begin{cases} x = \mathsf{ord}(w) \\ \mathsf{hash}(w) = \sum_i x_i d^{m-i} \mod q \\ \mathsf{rehash}(a, b, h) = (h - ad^{m-1})d + b \mod q \end{cases}$$

其中 q 是某个大素数，d 为底数 (一般可以取 2)

```
def KR(P, T):
  y = d ** m-1; Phash = 0; Thash = 0
  for i = 1 to m:
    Phash = Phash * d + ord(P[i])
    Thash = Thash * d + ord(T[i])
  j = 1
  while j <= n - m + 1:
    if Phash == Thash and memcmp(P, T+j-1, m) == 0:
      report match at j
    Thash = (Thash - y*ord(T[j])) * d + ord(T[j+m])
    j++
```
