Prof. Dr. Leif Kobbelt

Stefan Dollase, Ira Fesefeldt, Alexandra Heuschling, Gregor Kobsik

## Lösung - Übung 5

## **Tutoraufgabe 1 (Quicksort):**

Sortieren Sie das folgende Array mithilfe von Quicksort. Geben Sie dazu das Array nach jeder Partition-Operation an und markieren Sie das jeweils verwendete Pivot-Element.

2	3	9	6	7	4	1	5	8

Lösung
2 3 9 6 7 4 1 5 8
2 3 5 6 7 4 1 8 9
1 3 5 6 7 4 2 8 9
1 2 5 6 7 4 3 8 9
1 2 3 6 7 4 5 8 9
1 2 3 4 5 6 7 8 9
1 2 3 4 5 6 7 8 9



## **Tutoraufgabe 2 (Mergesort):**

Sortieren Sie das folgende Array mithilfe von Mergesort. Geben Sie dazu das Array nach jeder Merge-Operation an.

2	3	9	6	7	4	1	5	8

Lösung
2 3 9 6 7 4 1 5 8
2 3 9 6 7 4 1 5 8
2 3 9 6 7 4 1 5 8
2 3 9 6 7 4 1 5 8
2 3 6 7 9 4 1 5 8
2 3 6 7 9 1 4 5 8
2 3 6 7 9 1 4 5 8
2 3 6 7 9 1 4 5 8
1 2 3 4 5 6 7 8 9



## **Tutoraufgabe 3 (Heapsort):**

Sortieren Sie das folgende Array mithilfe von Heapsort. Geben Sie dazu das Array nach jeder Swap-Operation an.

2	3	9	6	7	4	1	5	8



Lösı	ıng							
2	3	9	6	7	4	1	5	8
2	3	9	8	7	4	1	5	6
2	8	9	3	7	4	1	5	6
2	8	9	6	7	4	1	5	3
9	8	2	6	7	4	1	5	3
9	8	4	6	7	2	1	5	3
3	8	4	6	7	2	1	5	9
8	3	4	6	7	2	1	5	9
8	7	4	6	3	2	1	5	9
5	7	4	6	3	2	1	8	9
7	5	4	6	3	2	1	8	9
7	6	4	5	3	2	1	8	9
	6	4	5	3	2	7	8	9
6	1	4	5	3	2	7	8	9
6	5	4	1	3	2	7	8	9
2	5	4	1	3	6	7	8	9
5	2	4	1	3	6	7	8	9
5	3	4	1	2	6	7	8	9
2	<u> </u>	4	1	5	6	7	8	9
4	3	2	1	5	6	7	8	9
	3	2	4	5	6	7	8	9
3	1	2	4	5	6	7	8	9
2	1	3	4	5	6	7	8	9
1	2	3	4	5	6	7	8	9
		L	<u></u> 4	)	O	1	0	9

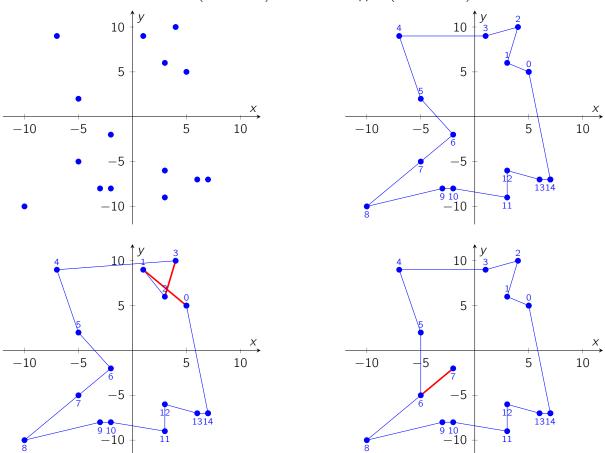
### **Tutoraufgabe 4 (Sortieren von Polarkoordinaten):**

In dieser Aufgabe möchten wir Punkte  $(x, y) \in \mathbb{Z}^2$  im 2-dimensionalen Raum nach verschiedenen Kriterien (Schlüsseln) sortieren.

- a) Beschreiben Sie, wie man die Sortierverfahren aus der Vorlesung abändern kann, um ein gegebenes Array von Punkten aufsteigend nach dem Euklidischen Abstand zum Ursprung zu sortieren.
- b) Beschreiben Sie, wie man die Sortierverfahren aus der Vorlesung abändern kann, um ein gegebenes Array von Punkten aufsteigend nach dem Winkel zwischen der x-Achse und der Linie die den Ursprung mit einem Punkt verbindet zu sortieren.
- c) Beschreiben Sie einen Algorithmus der als Eingabe ein Array A von n Punkten bekommt und dieses Array so sortiert, dass wir jeweils die Punkte A[i] und A[i+1] (für  $i \in \{0, ..., n-2\}$  sowie A[n-1] und A[0] mit geraden Linien verbinden können, ohne dass sich die Linien kreuzen bzw. überlappen.

Wir gehen davon aus, dass sich in jedem Quadranten des Koordinatensystems mindestens ein Punkt befindet. Begründen Sie kurz, warum ihr Algorithmus korrekt ist.

Beispiel. In der unten stehenden Abbildung sehen wir eine mögliche Eingabe (oben links), eine korrekte Ausgabesortierung mit eingezeichneten Linien (oben rechts), sowie zwei falsche Ausgabesortierungen bei der sich die Linien sowohl kreuzen (unten links) als auch überlappen (unten rechts).





#### Lösung

a) Wir erstellen eine Funktion, die uns für einen gegebenen Punkt den Abstand zum Ursprung zurück gibt:

```
def dist(p):
 return sqrt(pow(p.x,2) + pow(p.y,2))
```

Nun wird im Sortieralgorithmus jeder Vergleich zwischen zwei Array Elementen E[i] < E[j] ersetzt durch dist(E[i]) < dist(E[j]) (Analog für '<=', '>', '==', ...)

b) Gesucht wird hier der Polarwinkel, nach dem wir sortieren sollen. Ähnlich zur vorherigen Aufgabe erstellen wir nun eine Funktion, die uns für einen gegebenen Punkt den Polarwinkel zurück gibt. Hierzu benutzen wir den arctan2:

```
def polararc(p):
    return arctan2(p.y,p.x)
```

Nun wird genauso wie in der vorherigen Aufgabe im Sortieralgorithmus jeder Vergleich zwischen zwei Array Elementen E[i] < E[j] ersetzt durch polararc(E[i]) < polarc(E[j]) (Analog für '<=', '>', '==', ...)

```
def polarSort(E):
   Sortiere E mit Mergesort aufsteigend nach Euklidischen Abstand zum Ursprung
   Sortiere E mit Mergesort aufsteigend nach Polarwinkeln
```

Begründung: Wir erhalten ein Array das aufsteigend nach dem Polarwinkel sortiert ist. Dadurch das Mergesort stabil ist, gilt außerdem, dass Punkte mit gleichem Winkel nach ihrem Abstand zum Ursprung sortiert sind.

Man könnte dies tatsächlich auch mit einer lexikographischen Ordnung sortieren, bei der wir die Schlüssel (polararc(p),dist(p)) nutzen.

Wenn wir eine Linie zwischen zwei aufeinander folgenden Punkten  $p_1$  bzw.  $p_2$  mit Polarwinkeln  $\varphi_1$  bzw.  $\varphi_2$  zeichnen, so hat jeder Punkt auf der Linie einen Polarwinkel  $\varphi \in [\varphi_1, \varphi_2]$ . Alle Punkte die auf zuvor gezeichneten Linien liegen können höchstens einen Polarwinkel  $\varphi' \leq \varphi_1$  haben und sich deshalb nicht mit der Linie zwischen  $p_1$  und  $p_2$  kreuzen. Dies gilt insbesondere auch, da es in jedem Quadranten mindestens einen Punkt geben muss und wir uns deshalb beim Zeichnen der Linie nur gegen den Uhrzeigersinn um den Ursprung bewegen. Außerdem kann bei Punkten mit gleichem Polarwinkel keine Überlappung der Linien entstehen, da die Punkte dann nach ihren Abstand zum Ursprung sortiert sind.

#### Hinweise:

- Im zweiten Sortierschritt muss ein stabiles Verfahren verwendet werden.
- Das genaue Sortierverfahren im ersten Schritt ist nicht relevant.



## Aufgabe 5 (Quicksort):

12 Punkte

Sortieren Sie das folgende Array mithilfe von Quicksort. Geben Sie dazu das Array nach jeder Partition-Operation an und markieren Sie das jeweils verwendete Pivot-Element.

7	3	6	4	5	1	8	9	2

Lösung
7 3 6 4 5 1 8 9 2
1 2 6 4 5 7 8 9 3
1 2 3 4 5 7 8 9 6
1 2 3 4 5 6 8 9 7
1 2 3 4 5 6 8 9 7
1 2 3 4 5 6 7 9 8
1 2 3 4 5 6 7 8 9

## Visual Computing Institute

## Aufgabe 6 (Mergesort):

8 Punkte

Sortieren Sie das folgende Array mithilfe von Mergesort. Geben Sie dazu das Array nach jeder Merge-Operation an.

7	3	6	4	5	1	8	9	2

Lösung
7 3 6 4 5 1 8 9 2
3 7 6 4 5 1 8 9 2
3 6 7 4 5 1 8 9 2
3 6 7 4 5 1 8 9 2
3 4 5 6 7 1 8 9 2
3 4 5 6 7 1 8 9 2
3 4 5 6 7 1 8 2 9
3 4 5 6 7 1 2 8 9
1 2 3 4 5 6 7 8 9



## Aufgabe 7 (Heapsort):

11 Punkte

Sortieren Sie das folgende Array mithilfe von Heapsort. Geben Sie dazu das Array nach jeder Swap-Operation an.

7	2	6	4	۲	1	0	0	2
7	3	6		5	1	8	9	2



Lösu	ng							
7	3	6	4	5	1	8	9	2
		1		! 				
7	3	6	9	5	1	8	4	2
7	3	8	9	5	1	6	4	2
7	9	8	3	5	1	6	4	2
7	9	8	4	5	1	6	3	2
9	7	8	4	5	1	6	3	2
2	7	8	4	5	1	6	3	9
8	7	2	4	5	1	6	3	9
8	7	6	4	5	1	2	3	9
3	7	6	4	5	1	2	8	9
7	3	6	4	5	1	2	8	9
		_				=		
7	5	6	4	3	1	2	8	9
2	5	6	4	3	1	7	8	9
6	5	2	4	3	1	7	8	9
1	5	2	4	3	6	7	8	9
		_						
5	1	2	4	3	6	7	8	9
5	4	2	1	3	6	7	8	9
3	4	2	1	5	6	7	8	9
4	3	2	1	5	6	7	8	9
1	3	2	4	5	6	7	8	9
3	1	2	4	5	6	7	8	9
2	1	3	4	5	6	7	8	9

## Lehrstuhl für Informatik 8 Computergraphik und Multimedia

### Aufgabe 8 (d-Heaps):

#### 3 + 2 + 2 + 2 = 9 Punkte

Ein Baum mit Grad d ist ein solcher Baum, bei dem jeder Knoten v maximal d viele Kinder hat. Ein d-Heap ist ein Baum mit Grad d in dem die erweiterte Heap-Bedingung gilt, d.h. für alle Knoten v und alle deren Teilbäume  $t_1 \dots t_n$  gilt  $\max(t_i) \leq v$ .

- a) Wir wollen zuerst eine Einbettung eines d-Heaps in das Array A finden. Wir wollen genauso wie bei regulären Heaps, dass wir links-vollständige Bäume mit Grad d in ein Array einbetten können und zwischen Einträgen im Array keine leeren Einträge sind.
  - i. Geben Sie nun eine Abbildung an, die für einen Elternknoten A[i] die Position aller ihrer Nachfolger  $A[j] \dots A[k]$  in einem vollständigen Baum mit Grad d angibt.
  - ii. In welchem Eintrag müssen Sie die Wurzel speichern?
  - iii. Begründen Sie auch die Korrektheit ihrer Abbildung!
- **b)** Was ist die Höhe eines d-Heaps mit n vielen Knoten? Begründen Sie ihre Antwort!
- i. Erklären Sie, wie Sie die Methode sink aus der Vorlesung so erweitern können, dass diese auch auf d-Heaps arbeitet.
  - *ii.* Geben Sie außerdem eine Laufzeitanalyse für den Worstcase in O-Notation ihrer erweiterten Methode sink in Abhängigkeit von dem Grad des Baumes *d* und der Anzahl der Knoten im Baum *n* an.
- d) i. Erklären Sie schließlich noch, wie Sie die Methode heap\_sort anpassen müssen, damit diese mit d-Heaps arbeiten können.
  - *ii.* Geben Sie auch für diese Methode eine Laufzeitanalyse für den Worstcase in O-Notation in Abhängigkeit von dem Grad des Baumes *d* und der Anzahl der Knoten im Baum *n* an.

### Lösung

- a) Wir benutzen hier abweichend von der Vorlesung ein Array das mit 0 indiziert ist, damit die Wurzel im Eintrag 0 gespeichert wird. Dann sind für einen Knoten A[i] die Nachfolger gegeben als  $A[d \cdot i + 1] \cdot A[d \cdot i + d]$ . Für die Wurzel i = 0 ist dies klar, denn deren Nachfolger in den Einträgen  $A[d \cdot 0 + 1] = A[1]$  bis  $A[d \cdot 0 + d] = A[d]$  gespeichert werden. Für ein beliebigen Knoten A[i] wissen wir, dass der letzte Nachfolger von A[i-1] an der Stelle  $A[d \cdot (i-1)+d] = A[d \cdot i]$  gespeichert wird und der erste Nachfolger von A[i] an der Stelle  $A[d \cdot i + 1]$  gespeichert wird. Damit gibt es zwischen den Nachfolgern von A[i-1] und A[i] keine Lücken, womit auch der ganze Baum lückenlos in das Array eingebettet wird.
- **b)** Die Anzahl der Knoten in einem vollständigen Baum mit Grad d und der Tiefe k sind genau  $d^k$ . Auf Tiefe k=0 haben wir  $d^0=1$  nur die Wurzel. Wir nehmen nun an für ein beliebiges, aber festes k ist die Anzahl der Knoten in einem vollständigen Baum mit Grad d und Tiefe k genau  $d^k$ , dann ist in einem vollständigen Baum mit Grad d und Tiefe k+1 auch  $d^k \cdot d = d^{k+1}$ .
  - Damit ist aber auch die Anzahl der Knoten in einem Baum mit Höhe h höchstens  $\sum_{i=0}^h d^i = \frac{d^{h+1}-1}{d-1}$  (das lässt sich per vollständiger Induktion zeigen). Also ist die maximale Höhe mit n Knoten auch  $\lceil \log_d(n \cdot d n + 1) 1 \rceil$ , wobei  $\lceil x \rceil$  den Wert von x aufrundet.
- c) Statt nur  $A[2 \cdot i]$  und  $A[2 \cdot i+1]$  zu vergleichen, müssen wir stets das Maximum aller  $A[d \cdot i+1]$  bis  $A[d \cdot i+d]$  suchen und diesen dann mit A[i] vergleichen. Damit haben wir für jede Iteration eine Laufzeit in O(d).

Weiterhin müssen wir die Schleifenbedingung ändern, da wir in den inneren Knoten sind, solange  $0 \le i < \lceil (n-1)/d \rceil$ . Für 0 bis d+1 Einträge lässt sich überprüfen, dass  $\lceil (n-1)/d \rceil$  die Anzahl der inneren Knoten angibt. Da wir 0 indiziert sind, fordern wir hier dass der Index kleiner ist als die Anzahl. Für Einträge größer hilft uns die Beobachtung, dass das Hinzufügen von d Einträgen die Anzahl an inneren Knoten um 1 erhöht, womit die Anzahl an inneren Knoten von n+d Einträgen genau  $\lceil (n-1)/d \rceil + 1 = \lceil (n+d-1)/d \rceil$  ist

Wir haben maximal so viele Iterationen wie der Baum Höhe hat, also maximal  $\lceil \log_d(n \cdot d - n + 1) - 1 \rceil =$ 





# $O(\frac{\log(n \cdot d)}{\log(d)}) = O(\frac{\log(n) + \log(d)}{\log(d)}) = O(\frac{\log(n)}{\log(d)} + 1) = O(\frac{\log(n)}{\log(d)}) \text{ viele Iterationen.}$

Computergraphik und Multimedia

Zusammen ist die Laufzeit also in  $O(d \cdot \frac{\log(n)}{\log(d)})$ .

- **d)** Für die erste Schleife müssen wir lediglich den Start- und Endwert anpassen und diesen auf  $\lceil (n-1)/d \rceil 1$ und -1 respektive anpassen. Die zweite Schleife müssen wir ebenfalls auf 0 Indizierung anpassen.
  - Die Laufzeit von der ersten Schleife ist die Anzahl an Iterationen (die in  $O(\frac{n}{d})$  ist, wie oben erklärt) und die Laufzeit von sink, die nach der vorherigen Teilaufgabe in  $O(d \cdot \frac{\log(n)}{\log(d)})$  ist. Zusammen also in  $O(\frac{n\log(n)}{\log(d)}).$

Die Laufzeit von heap sort ist dann die Laufzeit von der ersten Schleife plus die Anzahl an Iterationen (das sind O(n) viele) mal die Kosten von sink und von Swap. Swap hat nur eine Laufzeit von O(1), sink eine Laufzeit von  $O(d \cdot \frac{\log(n)}{\log(d)})$ . Zusammen ergibt das eine Laufzeit in  $O(\frac{n \log(n)}{\log(d)} + n \cdot d \cdot \frac{\log(n)}{\log(d)}) = O(\frac{n \cdot d \cdot \log(n)}{\log(d)})$ .