

Laboratorio 6: Usando Docker en Bioinformática.

Nombre: Marcos Adrián Grela Hernández

Docker es, sin duda, un paso más allá en el uso de herramientas informáticas de la ciencia. Llegando a resolver uno de nuestros problemas más frecuentes en todos los ámbitos científicos, la reproducibilidad de los resultados. En este contexto Docker nos facilita el uso de cualquier máquina con cualquier programa para trabajar libremente y comprobar dichos resultados con distintos profesionales.

La ejecución de la práctica se hace bastante corta y rápida dada la facilidad natural que posee Docker y gracias a la buena explicación de la guía de dicho Laboratorio. De los mejores aspectos que, personalmente, tiene Docker es la capacidad para, si algo no funciona bien o da problemas, cerrar el contenedor rápidamente y empezar de nuevo. Todo ello sin ocupar espacio o gastar demasiados recursos, como ocurre en máquinas virtuales.