Кластеризация

Дзюба Мария, 214 группа

Собственная реализация Kmeans

```
import numpy as np
In [159...
          from pandas import *
          import matplotlib.pyplot as plt
          def closest(dot, centers):
                                                                               # Функция для определения ближайшего центра к зада
In [160...
              distance = []
              for center in centers:
                  cur_length = 0
                   for i in range(len(dot)):
                       cur_length += (center[i] - dot[i]) ** 2
                   distance.append(cur_length)
              return np.argmin(distance)
In [161...
          def new_center(dots_in_cluster):
              new_coordinate = []
              coordinate = np.zeros(len(dots_in_cluster[0]))
              for i in range(coordinate.shape[0]):
                  for elem in dots_in_cluster:
                      coordinate[i] += elem[i]
                   new_coordinate += [coordinate[i] / len(dots_in_cluster)]
              return new_coordinate
In [162...
          class Kmeans:
                                                                              # Класс Kmeans
              def __init__(self, n_clusters=2):
                   self.n_clusters = n_clusters
              def initial_centers(self, num, matrix):
                  np.random.shuffle(matrix)
                   y = DataFrame(matrix).drop_duplicates().values
                   if self.n_clusters > len(y): # если количество различных элементов в исходных данных меньше, чем n_clus self.n_clusters = len(y) # то мы уменьшаем число кластеров
                   centers = y[:self.n_clusters]
                   return centers
              def fit(self, matrix):
                   self.matrix = matrix
                   centers = self.initial_centers(self.n_clusters, self.matrix)
                   self.initial_c = centers
                   count = 0
                   while True:
                       clusters = []
                       for i in range(self.n_clusters):
                           clusters.append([])
                       for dot in matrix:
                           clusters[closest(dot, centers)].append(dot)
                       new_centers = []
                       for cluster in clusters:
                           new_centers += [new_center(cluster)]
                       check = True
                                                                         # check == True, если новые центры совпадают со стары
                       for ind in range(len(centers)):
                           for i in range(matrix.shape[1]):
                               check = check and (new_centers[ind][i] == centers[ind][i]) # проверяем на совпадение
                       if not check:
                           centers = np.array([elem for elem in new_centers])
                       else:
                           self.centers = centers
                   return centers
              def predict(self, x):
                   labels = []
                   for dot in x:
                       labels += [closest(dot, self.centers)]
                   return labels
```

Зависимость от стратегии начальной инициализации

Реализация Kmeans++

```
def furthest(possible_centers, found_centers):
                                                                                      # Функция для определения наиболее далеких г
In [163...
               distance = []
              for dot in possible_centers:
                  cur_distance = 0
                   for elem in found_centers:
                       for i in range(len(dot)):
                          cur_distance += (dot[i] - elem[i])**2
                  distance.append(cur_distance)
              return np.argmax(distance)
In [164...
          class Kmeans_plus:
              def __init__(self, n_clusters=2):
                  self.n_clusters = n_clusters
               def initial_centers(self, num, matrix):
                  np.random.shuffle(matrix)
                   y = DataFrame(matrix).drop_duplicates().values
                   if self.n_clusters > len(y): # если количество различных элементов в исходных данных меньше, чем n_clusters = len(y) # то мы уменьшаем число кластеров
                  centers = [y[0]] # рандомная первая точка
                  next_max = 0
                  while len(centers) != self.n_clusters:
                      y = np.delete(y, next_max, 0)
                      next_max = furthest(y, centers)
                       centers += [y[next_max]]
                   return centers
              def fit(self, matrix):
                  self.matrix = matrix
                  centers = self.initial_centers(self.n_clusters, self.matrix)
                  self.initial_c = centers
                   count = 0
                  while True:
                       clusters = []
                       for i in range(self.n_clusters):
                           clusters.append([])
                       for dot in matrix:
                           clusters[closest(dot, centers)].append(dot)
                       new_centers = []
                       for cluster in clusters:
                           new_centers += [new_center(cluster)]
                      check = True
                                                                         # check == True, если новые центры совпадают со стары
                       for ind in range(len(centers)):
                           for i in range(matrix.shape[1]):
                               check = check and (new_centers[ind][i] == centers[ind][i]) # проверяем на совпадение
                       if not check:
                           centers = np.array([elem for elem in new_centers])
                           self.centers = centers
                           break
                   return centers
              def predict(self, x):
                   labels = []
                   for dot in x:
                      labels += [closest(dot, self.centers)]
                   return labels
```



Сравним работы kmeans и kmeans++ на примере обработки фотографии

```
from PIL import Image
  image = Image.open('C:\circles2.jpg')
  width = image.size[0]
  height = image.size[1]
  pix = image.load()

data = []
  pix_data = []
  for x in range(width):
```

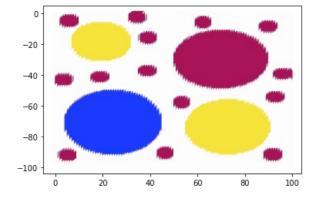
```
for y in range(height):
    r = pix[x, y][0] # красный
    g = pix[x, y][1] # зеленый
    b = pix[x, y][2] # синий
    data += [[r, g, b]]
    pix_data += [[y, x]]

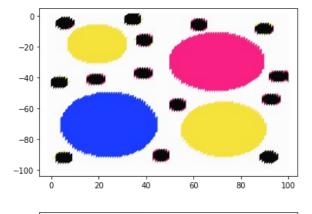
pix_data = np.array(pix_data)

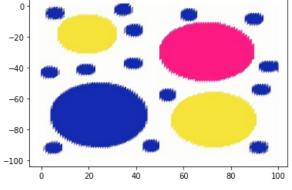
X = np.array(data)
X1 = np.array(data)
```

Как kmeans, так и kmeans++ очень сильно зависят от начальной инициализации (в случае kmeans++ от первого, случайно взятого центра). Если мы запустим данный алгоритм несколько раз подряд, мы можем понять, что kmeans++ больше подходит для обработки контрастных изображений, потому что близкие по оттенку цвета в большинстве случаев сливаются в один.

```
for j in range(3):
    a = Kmeans(n_clusters=5)
    centers = a.fit(X)
    labels = a.predict(X1)
    labels_col = [(centers[elem]/255) for elem in labels]
    plt.scatter(pix_data[:, 1], -pix_data[:, 0], c=labels_col)
    plt.show()
```

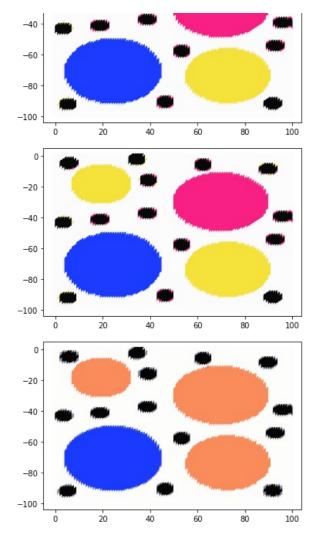






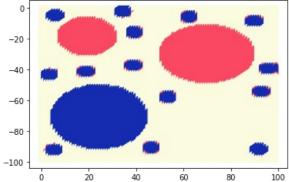
```
for j in range (3):
    a = Kmeans_plus(n_clusters=5)
    centers = a.fit(X)
    labels = a.predict(X1)
    labels_col = [(centers[elem]/255) for elem in labels]
    plt.scatter(pix_data[:, 1], -pix_data[:, 0], c=labels_col)
    plt.show()
```

```
-20 -
```



При работе с изображениями kmeans++ выделяет контрастные области, чаще всего без чувствительности к оттенкам (но это зависит от случайно выбранной первой точки, как на примере внизу)

```
a = Kmeans_plus(n_clusters=3)
centers = a.fit(X)
labels = a.predict(X1)
labels_col = [(centers[elem]/255) for elem in labels]
plt.scatter(pix_data[:, 1], -pix_data[:, 0], c=labels_col)
plt.show()
```



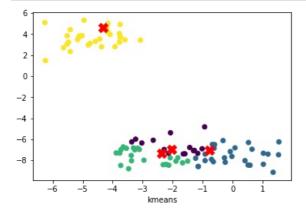
Рассмотрим кластеризацию искуственно заданных данных, и сравним ее, в зависимости от метода kmeans или kmeans++:

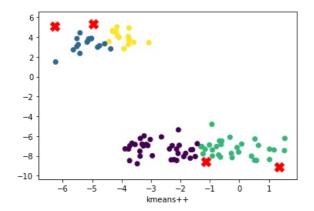
```
plt.scatter(np.array(a.initial_c)[:,0],np.array(a.initial_c)[:,1],s=150, c='red', marker = 'X')
plt.xlabel('kmeans')
plt.show()

centers_b = b.fit(X)

labels_b = b.predict(X)

plt.scatter(X[:, 0], X[:, 1], c=labels_b)
plt.scatter(np.array(b.initial_c)[:,0],np.array(b.initial_c)[:,1],s=150, c='red', marker = 'X')
plt.xlabel('kmeans++')
plt.show()
```





Как мы можем заметить, при использовании kmeans, кластеризация имеет большую погрешность (из-за произвольного выбора начальных центров). Однако, стоит так же помнить, что при большом количестве кластеров, алгоритм kmeans++ будет выполняться значительно дольше.

Применение kmeans и kmeans ++

Классификация изображений по цвету

Программа ниже обучается на фотографии розы и фотографии лилии и анализирует, что изображено на третьей фотографии

(относительно цвета)

```
image = Image.open('C:\lilia.jpg')
In [172...
           width = image.size[0]
           height = image.size[1]
           pix = image.load()
           data_l = []
           for x in range(width):
               for y in range(height):
                   r = pix[x, y][0] # красный
                                      # зеленый
                   g = pix[x, y][1]
                   b = pix[x, y][2] # синий
data_l += [[r, g, b]]
           image = Image.open("C:/rose.jpg")
           width = image.size[0]
           height = image.size[1]
           pix = image.load()
           data_r = []
```

```
for x in range(width):
    for y in range(height):
        r = pix[x, y][0] # красный
        g = pix[x, y][1] # зеленый
        b = pix[x, y][2] # синий
        data_r += [[r, g, b]]

XL = np.array(data_l)

XR = np.array(data_r)
    a = Kmeans(n_clusters=2)
    centers = a.fit(XL)
    centers = np.append(centers, a.fit(XR), axis=0) # получаем многомерный массив, в котором первые два кластера соо.
        # лилии, вторые - розе
```



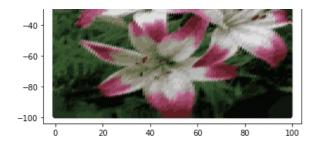
```
In [156... lilia_c = 0
    rose_c = 0
    XSMTH2 = np.array(data_smth2)
    labels_2 = a.predict(XSMTH2)
    for elem in labels_2:
        if elem == 1 or elem == 0:
            lilia_c += 1
    else:
        rose_c += 1
    if lilia_c > rose_c:
        print("Это лилия!")
```

Это лилия!

Сжатие картинки (уменьшением количества цветов)

```
In [157_ image = Image.open('C:\lilia3.jpg')
           width = image.size[0]
           height = image.size[1]
           pix = image.load()
           data = []
           pix_data = []
           for x in range(width):
               for y in range(height):
                   r = pix[x, y][0] # красный g = pix[x, y][1] # зеленый
                    b = pix[x, y][2] # синий
                   data += [[r, g, b]]
pix_data += [[y, x]]
           pix_data = np.array(pix_data)
           X = np.array(data)
           X1 = np.array(data)
           a = Kmeans_plus(n_clusters=20)
           centers = a.fit(X)
           labels = a.predict(X1)
           labels_col = [(centers[elem]/255) for elem in labels]
           plt.scatter(pix_data[:, 1], -pix_data[:, 0], c=labels_col)
           plt.show()
```

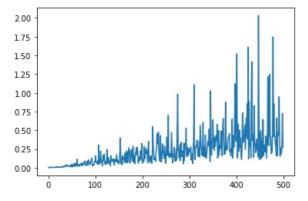




Зависимость скорости обучения от объема данных

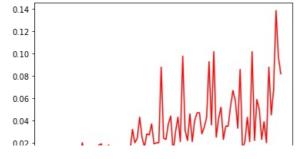
Как мы видим, зависимость от объема данных линейная

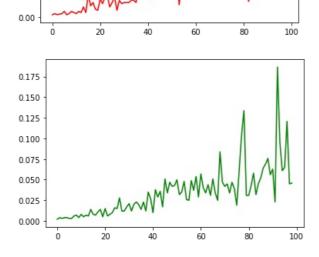
```
import time
intervals = []
for j in range(500):
    a = Kmeans(n_clusters=4)
    X, y = make_blobs(n_samples=5 * j, centers=4, cluster_std = 1, n_features=2,)
    start = time.time()
    centers = a.fit(X)
    finish = time.time() - start
    intervals += [finish]
plt.plot(intervals)
plt.show()
```



Зависимость скорости обучения от выбора начального метода

```
In [17]:
          import time
          intervals_a = []
          intervals_b = []
          for j in range(1,100):
              a = Kmeans(n_clusters=4)
              X, y = make_blobs(n_samples=5 * j, centers=4, cluster_std = 1, n_features=2,)
              start = time.time()
              centers = a.fit(X)
              finish = time.time() - start
              intervals_a += [finish]
              b = Kmeans_plus(n_clusters=4)
              X, y = make_blobs(n_samples=5 * j, centers=4, cluster_std = 1, n_features=2,)
              start = time.time()
              centers = b.fit(X)
              finish = time.time() - start
              intervals_b += [finish]
          plt.plot(intervals_a, c='red')
          plt.show()
plt.plot(intervals_b, c='green')
          plt.show()
```





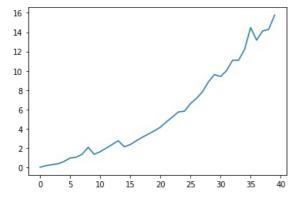
Как мы видим, среднее время выполнения Kmeans++ больше, чем Kmeans. Этот фактор надо учитывать при выборе испульзуемого метода:

```
In [18]: mean_a = sum(intervals_a)/len(intervals_a)
    print('Cpeднее время выполнения методом Kmeans: ', mean_a)
    mean_b = sum(intervals_b)/len(intervals_b)
    print('Cpeднее время выполнения методом Kmeans++: ',mean_b)
Среднее время выполнения методом Kmeans: 0.031175777165576665
Среднее время выполнения методом Kmeans++: 0.03464457964656329
```

Зависимость скорости обучения от сложности данных

```
intervals = []
for i in range(1, 200, 5):
    X, y = make_blobs(n_samples=250, centers=3, n_features=i)
    a = Kmeans(n_clusters=i)
    t1 = time.time()
    a.fit(X)
    intervals.append(time.time() - t1)

plt.plot(intervals)
plt.show()
```



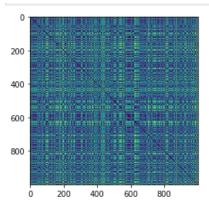
Стратегия выбора числа кластеров

Одним из недостатков метода k-means является неявная стратегия выбора числа кластеров. Именно поэтому, в некоторых случаях вместо метода k-means используют метод g-means, в основу работы которого входит алгоритм k-means.

```
In [ ]:
```

Визуализация матрицы попарных расстояний

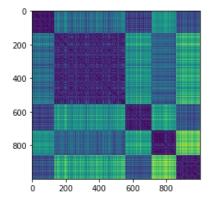
```
from scipy.spatial import distance_matrix
X, y = make_blobs(n_samples=1000, centers=7, n_features=2, random_state=1)
dist_m = distance_matrix(X,X)
plt.imshow(dist_m)
plt.show()
```



Если мы составим матрицу попарных расстояний, основываясь на нашей кластеризации, выводя точки в порядке кластеров, то мы получим:

```
New_seq = []
a = Kmeans_plus(n_clusters=5)
centers = a.fit(X)
labels = a.predict(X1)
for i in range(len(centers)):
    for j in range(len(labels)):
        if labels[j] == i:
            New_seq.append(X1[j])

New_x = np.array(New_seq)
dist_m1 = distance_matrix(New_x, New_x)
plt.imshow(dist_m1)
plt.show()
```



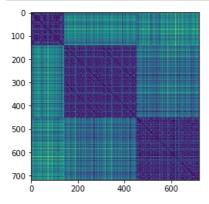
Если мы будем создавать новую матрицу, изначально расположив кластеры в порядке уменьшения количества принадлежащих им элементов, то наша матрица будет иметь вид:

```
250 -
500 -
750 -
```

```
1250 - 1500 - 1500 1500 1500
```

Если мы будем создавать новую матрицу, изначально расположив кластеры в порядке уменьшения длины их центров, то наша матрица будет иметь вид:

```
In [136...
           New = []
           length_of_centre = np.zeros(len(centers))
           c_{ind} = 0
          for center in centers:
    for i in range(len(center)):
                   length_of_centre[c_ind] += center[i]**2
               c_ind += 1
          while len(length_of_centre) != 0:
               ind = np.argmax(length_of_centre)
               length_of_centre = np.delete(length_of_centre, ind, 0)
               for j in range(len(labels)):
                   if labels[j] == ind:
                       New.append(X1[j])
           New = np.array(New)
           dist_m1 = distance_matrix(New, New)
          plt.imshow(dist_m1)
          plt.show()
```



```
In [ ]:
```