```
# Parametros da distribuicao Weibull
lambda <- 29
k <- 7
# 1. Calculo exato de E(X)
E_{exato} \leftarrow lambda * gamma(1 + 1 / k)
# 2. Gerar a amostra e o valor empirico de E(X)
set.seed(1160)
n <- 5000
amostra <- rweibull(n, shape = k, scale = lambda)</pre>
E_empirico <- mean(amostra)</pre>
# 3. Desvio absoluto arredondado
desvio <- abs(E_exato - E_empirico)</pre>
desvio_arredondado <- round(desvio, 4)</pre>
# Print do resultado
#cat("Diferenca absoluta:", desvio_arredondado, "\n")
cat("Resultado do exercicio 4 = ", desvio_arredondado, "\n")
```

```
# Semente dada
set.seed(1091)
# Numero de jogadas a simular (row)
nr_lan <- 30000
# Numero de dados por jogada (col)
nr_dice <- 3
\# Simular todos os lancamentos: matriz n x nr_dice
# Usando o matrix gera todos os resultados de uma vez, o que seria mais
   eficiente do que correr uma funcao varias vezes
dice_rolls <- matrix(sample(1:6, nr_lan * nr_dice, replace = TRUE), nrow =</pre>
   nr_lan, ncol = nr_dice)
# Soma dos dados por jogada
somas <- rowSums(dice_rolls)</pre>
# Frequencias relativas das somas 9 e 10
freq_9 \leftarrow mean(somas == 9)
freq_10 \leftarrow mean(somas == 10)
# Diferenca com 4 casas decimais
diferenca <- round(abs(freq_10 - freq_9), 4)</pre>
# Print dos resultados
#print(diferenca)
cat("Resultado do exercicio 5 = ", diferenca, "\n")
```

```
#
                                   PASSO 1: VALOR EXATO DE Pn
x < -5.3
n <- 11
valor_exato_pn <- function(n, x) {</pre>
  floor_x <- floor(x)
  soma_termos <- 0
  for (k in 0:floor_x) {
    termo \leftarrow (-1)^k * choose(n, k) * (x - k)^n
    soma_termos <- soma_termos + termo</pre>
  return(soma_termos / factorial(n))
}
pn_exact <- valor_exato_pn(n, x)</pre>
#
                                   PASSO 2: SIMULACAO COM A SEED=3985
#
                            APROXIMACAO PELO TLC(TEOREMA DO LIMITE CENTRAL)
#========
# COM A SEED
#=======
set.seed(3985)
m < -110
sn_values <- numeric(m)</pre>
for (i in 1:m) {
  sample_x <- runif(n, 0, 1)</pre>
  sn_values[i] <- sum(sample_x)</pre>
}
pn_sim <- mean(sn_values <= x)</pre>
#=======
# COM TLC
#=======
mu_sn \leftarrow n * 0.5
var_sn < -n * (1/12)
sd_sn <- sqrt(var_sn)</pre>
z \leftarrow (x - mu_sn) / sd_sn
pn_tlc <- pnorm(z)</pre>
                                   PASSO 3: DESVIO ABSOLUTO ENTRE Pn E Pn, tlc
desvio_tlc <- abs(pn_exact - pn_tlc)</pre>
                                   PASSO 4: DESVIO ABSOLUTO ENTRE Pn e Pn, sim
desvio_sim <- abs(pn_exact - pn_sim)</pre>
                                   PASSO 5: QUOCIENTE ENTRE OS DESVIOS
quociente <- desvio_tlc / desvio_sim
                                   MOSTRAR RESULTADOS COM 4 CASAS DECIMAIS
\#cat("1. Valor exato p_n = ", round(pn_exact, 4), "\n")
\#cat("2a. Aproximacao TLC p_n_TLC = ", round(pn_tlc, 4), "\n")
\#cat("2b. Aproximacao por simulacao p_n_sim = ", round(pn_sim, 4), "\n")
\#cat("3. Desvio TLC = ", round(desvio_tlc, 4), "\n")
\#cat("3.\ Desvio\ da\ simulacao\ =\ ",\ round(desvio\_sim,\ 4),\ "\setminus n")
\#cat("4. Quociente = ", round(quociente, 4), "\n")
cat("Resultado do exercicio 6 = ", round(quociente, 4), "\n")
```

```
# Dados do enunciado
n <- 12
soma_x \leftarrow 61.17
soma_logx < -19.45
# Medias
media_x <- soma_x / n
media_logx <- soma_logx / n</pre>
# Funcao para encontrar a raiz (equacao de verossimilhanca para alpha)
veross <- function(alpha) {</pre>
  log(alpha) - digamma(alpha) - log(media_x) + media_logx
resultado \leftarrow uniroot(veross, interval = c(46.6, 63.4))
alpha_hat <- resultado$root</pre>
# Estimar lambda
lambda_hat <- alpha_hat / media_x</pre>
modo <- (alpha_hat - 1) / lambda_hat</pre>
# Mostrar resultado com 2 casas decimais
#round(modo, 2)
cat("Resultado do exercicio 7 = ", round(modo, 2), "\n")
```

```
# Dados do enunciado
set.seed(1308)
m < -1300
n <- 10
mu <- 0.5
sigma <- 1
gamma <- 0.91
z <- qnorm(1 - (1 - gamma) / 2)
# Simulacao
cobertura <- replicate(m, {</pre>
  amostra <- rnorm(n, mean = mu, sd = sigma)
  media <- mean(amostra)</pre>
  erro <- z * sigma / sqrt(n)
 li <- media - erro
  ls <- media + erro
 mu >= li && mu <= ls
})
# Proporcao de intervalos que contem o valor verdadeiro
proporcao <- mean(cobertura)</pre>
# Quociente
quociente <- proporcao / gamma
# Resultado final com 4 casas decimais
#round(quociente, 4)
cat("Resultado do exercicio 8 = ", round(quociente, 4), "\n")
```

```
# Dados do enunciado
set.seed(5707)
m <- 900
               #numero de amostras
n <- 25
               #dimensao da populacao X
alfa <- 0.08
h0 <- 5
h1 <- 6.2
# Aqui calculamos o valor critico
# Este e o limiar de decisao (rejeitamos h0 de TO>critico)
c \leftarrow qchisq(1 - alfa, df = 2 * n)
# Inicializar o contar de erros_tipo_II
# E incrementado quando nao rejeitamos h0 (mesmo que he=True)
contador_erros_II <- 0</pre>
#Loop que corre n vezes
for (i in 1:m) {
  #gera uma amostra de tamanho n=25 com media h1=6.2
  amostra <- rexp(n, rate = 1 / h1) # gerar sob H1
 #calculamos a media amostral usada na estatistica
 media_amostral_X <- mean(amostra)</pre>
 #calculamos a estatistica TO
  TO <- (2 * n * media_amostral_X) / h0
 #aqui verificamos se nao ultrapassa o critico
 #incrementamos o numero de erros_tipo_II caso nao ultrapasse
  if (TO <= c) {
    contador_erros_II <- contador_erros_II + 1</pre>
  }
}
#dividir o numero de erros_tipo_II pelo numero total de simulacoes
beta_chapeu <- contador_erros_II / m
# Calcular valor teorico de beta
beta \leftarrow pgamma(c, shape = n, scale = 2 * h1/h0)
# Quociente
quociente <- round(beta_chapeu/beta, 4)
#print(quociente)
cat("Resultado do exercicio 9 = ", quociente, "\n")
```

```
# 1. Dados da amostra
dados \leftarrow c(2.3, 2.7, 5.2, 0.7, 2.9, 0.6, 2.6, 2.2, 3.8, 0.5, 4.9, 5.4,
   3.7, 0.4, 4, 3.6, 2, 0.8, 2.5, 2.8, 1.7, 3.3,
           1.5, 0.4, 6.4, 1.5, 6, 2.1, 0.4, 4.6, 3.1, 4.4, 4, 2.1, 5, 3.3,
               4.7, 3.4, 4.3, 4.5, 2.3, 0.5, 4.9, 3.5,
           1.8, 1.9, 2.6, 4.3, 4.6, 5.2, 1.6, 2.8, 2.4, 2.8, 1.8, 3.6,
              0.8, 5.1, 1.4, 3.2, 1, 6.3, 3.6, 3.6, 1.8,
           0.9, 4.6, 2.5, 5.8, 0.6, 3.3, 3.2, 6.6, 2.6, 2.5, 1.5, 4.1,
              1.7, 2.1, 1.5, 0.4, 4.8, 0.4, 1.5, 4.2, 3.3,
           1.2, 8.1, 2.4, 2.8, 2.1, 6.3, 4.2, 1.3, 6, 1.3, 3.7, 2.5, 6.6,
              2.7, 1.4, 2, 0.7, 4.3, 3.4, 4.3, 4, 4,
           0.8, 2.3, 2.5, 5.4, 4.3, 0.5, 3.9, 2.2, 3.4, 1.3, 2.4, 4.7, 2,
              1.3, 4.4, 2.9, 2.1, 2.5, 1.6, 2.3, 4.4,
           1.9, 1.9, 1.7, 2, 4.2, 3.4, 3.9, 4.3, 1.3, 2.9, 2.2, 5.1, 2.3,
              1.9, 2.9, 5.2, 3.4, 2.6, 2.4, 3.2, 1.3,
           3.1, 5.1, 1.4, 4.2, 0.9, 1.3, 2.1, 2.6, 6.2, 1.6, 2.7, 1.7,
              2.3, 3.3, 2.8, 1.2, 2.6, 1.5, 2, 2.8, 2.5, 2,
           1.2, 2.2, 2.6, 2.5, 6, 1.9, 3, 3.8, 1.9, 3.2, 3.1, 1.8, 2.6,
              1.9, 3.5, 3.7, 1.8, 2.2, 2, 1.3, 2, 1.1,
           2.2, 3.1, 2.9, 1.3, 0.2, 3.9)
set.seed (4497)
n < -140
# Calcular limites das 6 classes equiprovaveis sob HO: Rayleigh(sigma=2.2)
sigma <- 2.2
k <- 6
indices_sub <- sample(1:length(dados), n, replace = FALSE)
subamostra <- dados[indices_sub]</pre>
probs \leftarrow seq(0.2, 1.0, by = 0.2)
limites <- sigma * sqrt(-2 * log(1 - probs))</pre>
for (i in 2:length(limites)) {
# Agrupar observacoes e contar frequencias observadas
freq_obs <- numeric(k)</pre>
for (x in subamostra) {
  if (x \le limites[1]) {
    freq_obs[1] <- freq_obs[1] + 1
  } else if (x \le limites[2]) {
    freq_obs[2] <- freq_obs[2] + 1
  } else if (x \le limites[3]) {
    freq_obs[3] <- freq_obs[3] + 1
  } else if (x \le limites[4]) {
    freq_obs[4] <- freq_obs[4] + 1
  } else {
    freq_obs[5] <- freq_obs[5] + 1
# Frequencias esperadas
freq_esp <- n / k
# Teste qui-quadrado
chi2_stat <- sum((freq_obs - freq_esp)^2 / freq_esp)</pre>
gl <- k - 1
p_valor <- 1 - pchisq(chi2_stat, gl)</pre>
```

```
# Decisoes nos niveis de significancia
niveis \leftarrow c(0.01, 0.05, 0.10)
decisoes <- character(length(niveis))</pre>
for (i in 1:length(niveis)) {
  if (p_valor < niveis[i]) {</pre>
    decisoes[i] <- "Rejeitar HO"</pre>
  } else {
    decisoes[i] <- "Nao rejeitar HO"</pre>
  }
}
cat("\ nDecisoes :\n")
cat(" Nivel 1%: ", decisoes [1] , "\n")
cat(" Nivel 5%: ", decisoes [2] , "\n")
cat(" Nivel 10%: ", decisoes [3] , "\n")
# Determinar a resposta correta
if (all(decisoes == "Nao rejeitar HO")) {
  resposta <- "c"
  cat("\nResposta: c) Nao rejeitar HO aos n.s. de 1%, 5% e 10%.\n")
} else if (all(decisoes == "Rejeitar HO")) {
  resposta <- "d"
  cat("\nResposta do exercicio 10: : d) Rejeitar HO aos n.s. de 1%, 5% e
     10%.\n")
} else if (decisoes[1] == "Nao rejeitar HO" && decisoes[2] == "Rejeitar HO"
  " && decisoes[3] == "Rejeitar HO") {
  resposta <- "a"
  cat("\nResposta do exercicio 10: : a) Rejeitar HO aos n.s. de 5% e 10% e
      nao rejeitar HO ao n.s. de 1%.\n")
} else if (decisoes[1] == "Nao rejeitar HO" && decisoes[2] == "Nao
  rejeitar HO" && decisoes[3] == "Rejeitar HO") {
  resposta <- "b"
  cat("\nResposta do exercicio 10: : b) Rejeitar HO ao n.s. de 10% e nao
     rejeitar HO aos n.s. de 1% e 5%.\n")
} else {
  resposta <- "e"
  cat("\nResposta do exercicio 10: : e) Teste e inconclusivo.\n")
}
```