

Лабораторная работа 5

Модель эпидемии (SIR)

Извекова Мария Петровна

Содержание

Цель работы	5
Задание	6
Выполнение лабораторной работы	7
Реализация модели в xcoss	7
Реализация модели с помощью блока Modelica в xcoss	12
Упражнение	15
Задание для самостоятельного выполнения	15
Выводы	21

Список иллюстраций

1	Фиксирование переменных	8
2	Готовая модель	9
3	Конечное время интегрирования	11
4	Результат моделирования	12
5	Фиксированные переменные	13
6	Функция generic	14
7	Результат моделирования	14
8	Время симмуляции	15
9	Результат моделирования	15
10	Готовая модель	16
11	Результат моделирования	17
12	Модель с блоком	18
13	Результат моделирования при $\mu=0.1$	19
14	Результат моделирования при $\mu=0.9$	20
15	Результат моделирования при $\mu=0.1$	20
16	Результат моделирования при $\mu=0.9$	20

Список таблиц

Цель работы

Построить модель SIR в xcos и OpenModelica.

Задание

1. Реализовать модель SIR в в xcos;
2. Реализовать модель SIR с помощью блока Modelica в в xcos;
3. Реализовать модель SIR в OpenModelica;
4. Реализовать модель SIR с учётом процесса рождения / гибели особей в xcos (в том числе и с использованием блока Modelica), а также в OpenModelica;
5. Построить графики эпидемического порога при различных значениях параметров модели (в частности изменяя параметр μ);
6. Сделать анализ полученных графиков в зависимости от выбранных значений параметров модели.

Выполнение лабораторной работы

Задача о распространении эпидемии описывается системой дифференциальных уравнений:

$$\begin{cases} \dot{s}(t) = -\beta s(t)i(t), \\ \dot{i}(t) = \beta s(t)i(t) - \nu i(t), \\ \dot{r}(t) = \nu i(t) \end{cases}$$

где β - скорость распространения, ν - скорость выздоровления

Реализация модели в xcos

Зафиксируем начальные данные: $\beta = 1$, $\nu = .3$, $s(0)=0.999$, $r(0)=0$, $i(0)=0.001$ В меню Моделирование, Установить контекст зададим значения переменных β и ν (рис. [-@fig:001]).

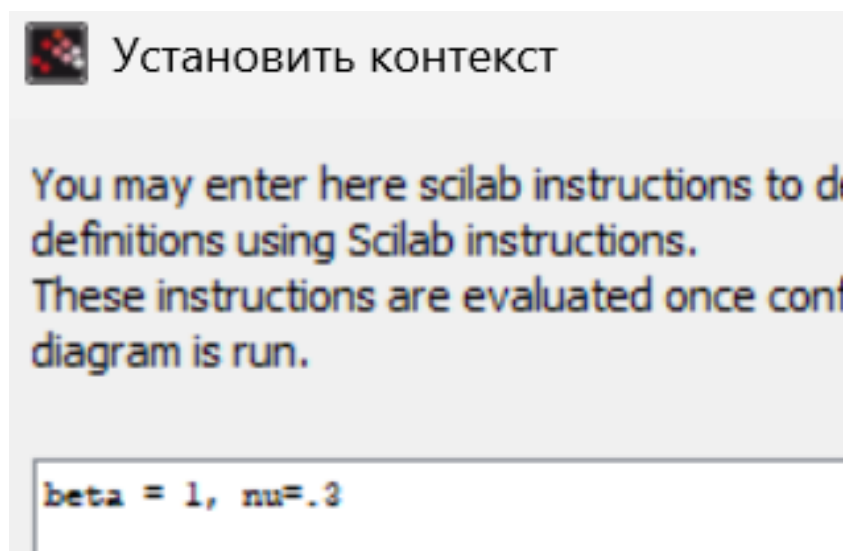


Рис. 1: Фиксирование переменных

Для реализации модели (рис. [-@fig:002]) потребуются следующие блоки xcos: CLOCK_c – запуск часов модельного времени; CSCOPE – регистрирующее устройство для построения графика; TEXT_f – задаёт текст примечаний; MUX – мультиплексер, позволяющий в данном случае вывести на графике сразу несколько кривых; INTEGRAL_m – блок интегрирования; GAINBLK_f – в данном случае позволяет задать значения коэффициентов β и ν ; SUMMATION – блок суммирования; PROD_f – поэлементное произведение двух векторов на входе блока.

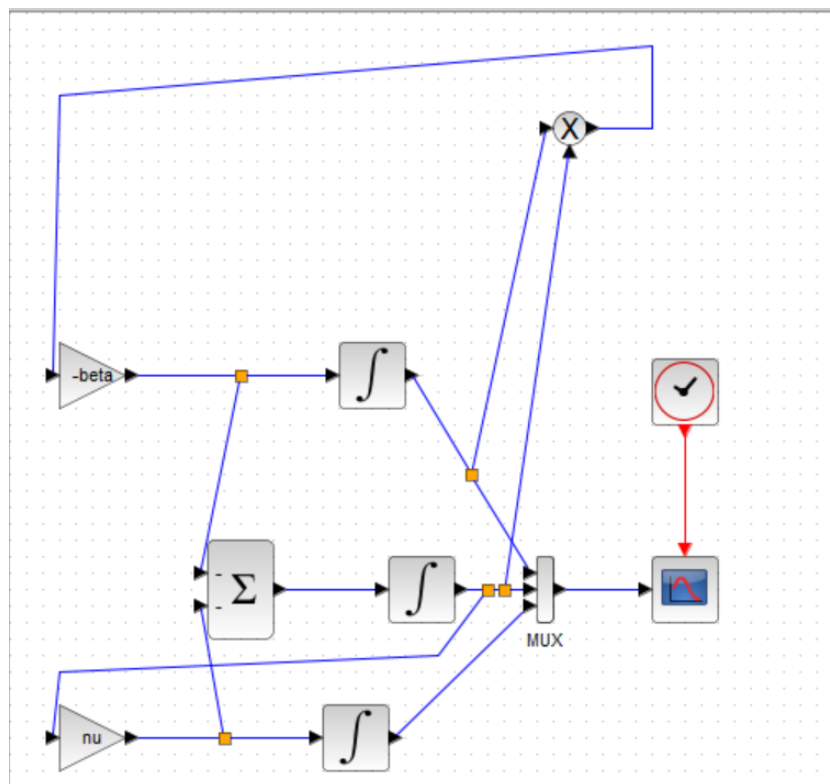
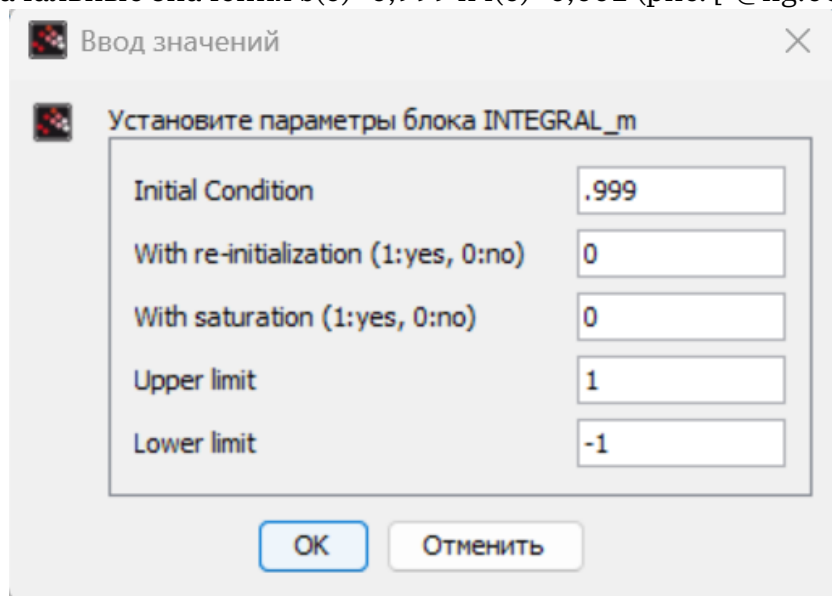


Рис. 2: Готовая модель

В параметрах верхнего и среднего блока интегрирования необходимо задать начальные значения $s(0)=0,999$ и $i(0)=0,001$ (рис. [-@fig:003],[-@fig:004]).



Ввод значений

Установите параметры блока INTEGRAL_m

Initial Condition	.001
With re-initialization (1:yes, 0:no)	0
With saturation (1:yes, 0:no)	0
Upper limit	1
Lower limit	-1

OK Отменить

В параметре нижнего блока интегрирования оставляем начально значение $r(0)=0$ (рис. [-@fig:005]).

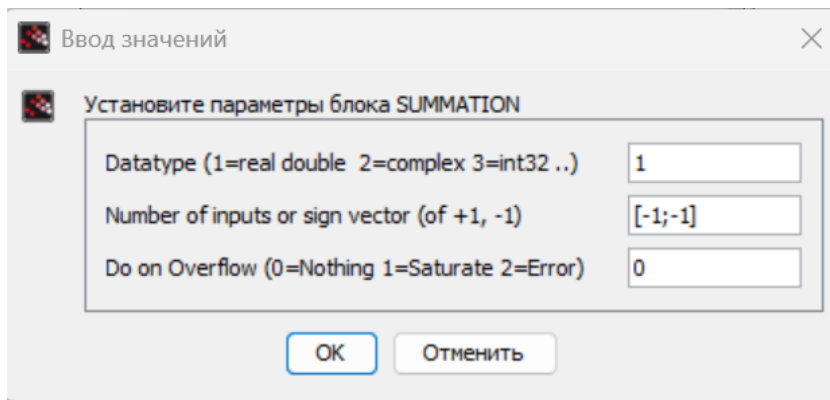
Ввод значений

Установите параметры блока INTEGRAL_m

Initial Condition	0
With re-initialization (1:yes, 0:no)	0
With saturation (1:yes, 0:no)	0
Upper limit	1
Lower limit	-1

OK Отменить

В параметре суммы задаем следующие значения (рис. [-@fig:006]).



В меню Моделирование, Установка зададим конечное время интегрирования, равным времени моделирования, в данном случае 30 (рис. [-@fig:007]).

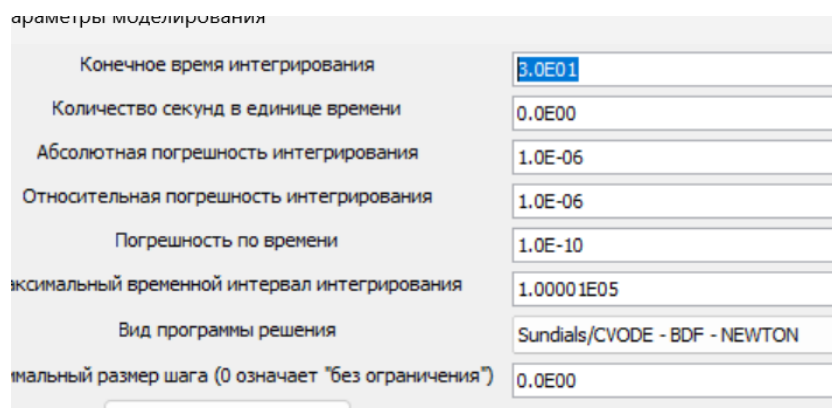


Рис. 3: Конечное время интегрирования

Результат моделирования представлен на рис. [-@fig:008], где черной линией обозначен график $s(t)$ (динамика численности уязвимых к болезни особей), красная линия определяет $r(t)$ — динамику численности выздоровевших особей, наконец, зеленая линия определяет $i(t)$ — динамику численности заражённых особей. Пересечение трёх линий определяет порог эпидемии.

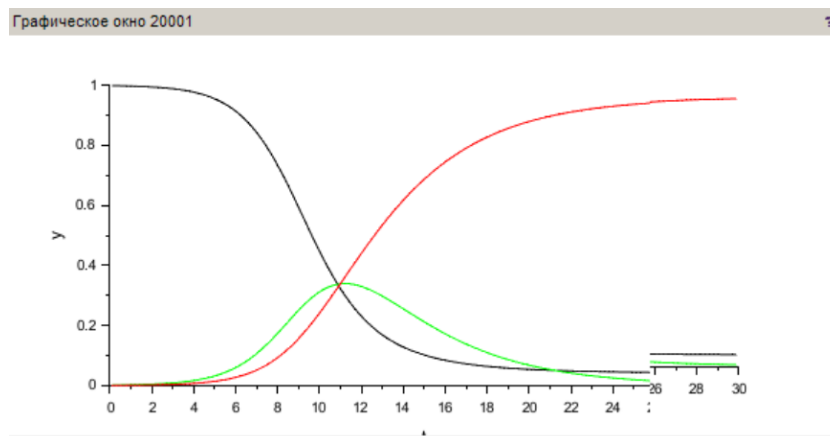
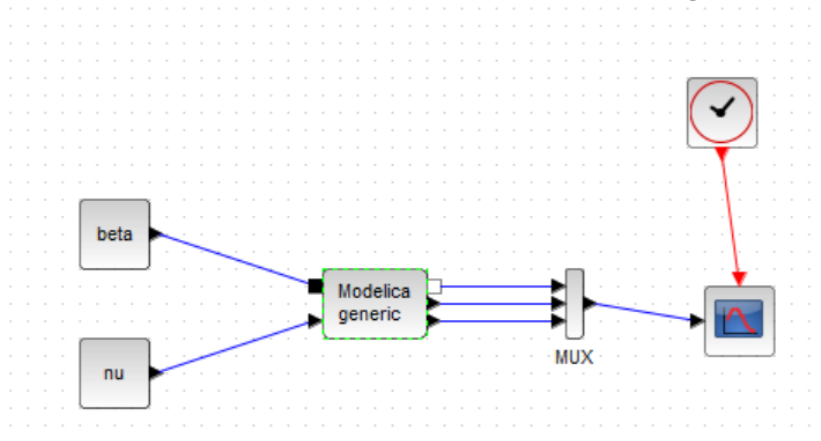


Рис. 4: Результат моделирования

Реализация модели с помощью блока Modelica в xcos

Готовая модель SIR представлена на рис. [-@fig:009].



Для реализации модели SIR с помощью языка Modelica помимо блоков CLOCK_c, CSCCOPE, TEXT_f и MUX требуются блоки CONST_m — задаёт константу; MBLOCK (Modelica generic) — блок реализации кода на языке Modelica. Задаём значения переменных β и ν (рис. [-@fig:001]).

Параметры блока Modelica представлены на рис. [-@fig:010], [-@fig:011]. Переменные на входе (“beta”, “nu”) и выходе (“s”, “i”, “r”) блока заданы как внешние (“E”).

Ввод значений

Set Modelica generic block parameters

Input variables:	<code>["beta"; "nu"]</code>
Input variables types:	<code>["E"; "E"]</code>
Output variables:	<code>["s"; "i"; "r"]</code>
Output variables types:	<code>["E"; "E"; "E"]</code>
Parameters in Modelica:	
Parameters properties:	
Function name:	<code>generic</code>

OK Отменить

Рис. 5: Фиксированные переменные

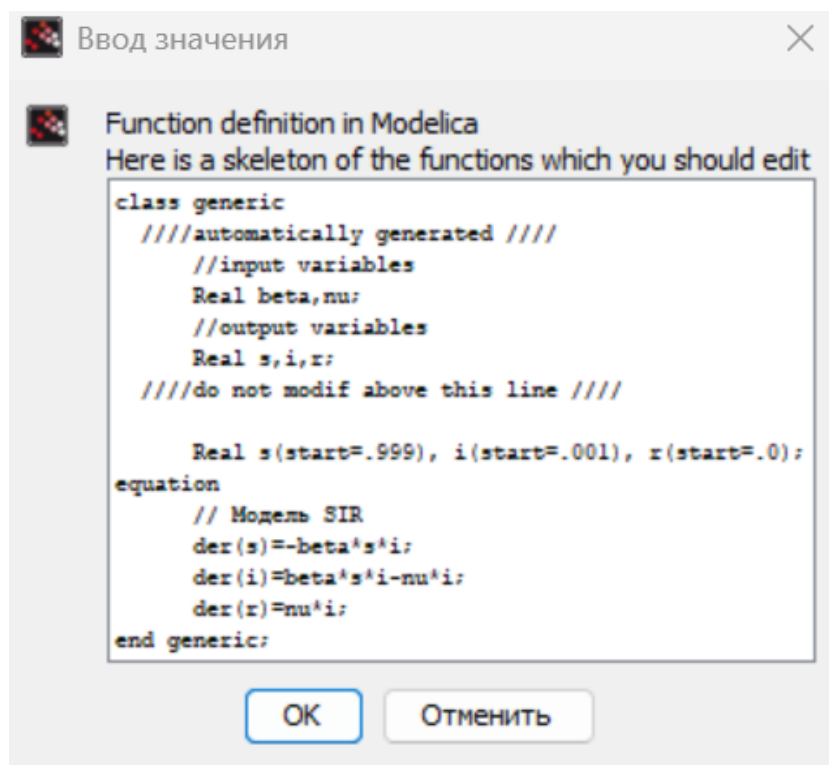


Рис. 6: Функция generic

В результате получаем график (рис. [-@fig:012]), построенный с помощью блока Modelica идентичный графику (рис. [-@fig:008]), построенному без них.

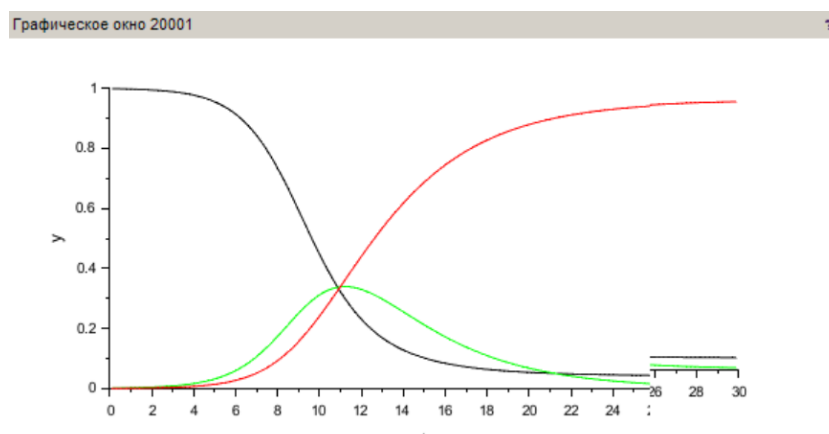


Рис. 7: Результат моделирования

Упражнение

В качестве упражнения нам надо построить модель SIR на OpenModelica. Синтаксис почти такой же как и на Modelica. Нужно задать параметры, начальные значения и систему дифференциальных уравнений.

Теперь выполним симуляции, задав конечное время 30 с (рис. [-@fig:013]).

Общее	Интерактивное моделирование	Флаги трансляции	Флаги модели
Интервал моделирования			
Время начала:	0		
Время завершения:	30		
<input checked="" type="radio"/> Число интервалов:	500		
<input type="radio"/> Интервал:	0.002		
Интегрирование			
Метод:	dassl		

Рис. 8: Время симмуляции

В результате получаем следующий график (рис. [-@fig:014]). Он идентичен предыдущим графикам выполненным в xcos.

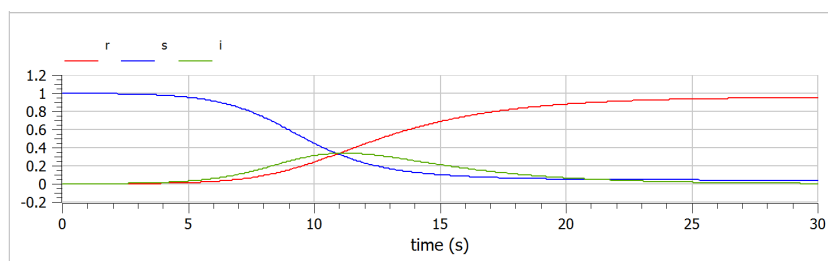


Рис. 9: Результат моделирования

Задание для самостоятельного выполнения

Предположим, что в модели SIR учитываются демографические процессы, в частности, что смертность в популяции полностью уравнивает рождае-

мость, а все рожденные индивидуумы появляются на свет абсолютно здоровыми. Тогда получим следующую систему уравнений:

$$\begin{cases} \dot{s}(t) = -\beta s(t)i(t) + \mu(N - s(t)), \\ \dot{i}(t) = \beta s(t)i(t) - \nu i(t) - \mu i(t), \\ \dot{r}(t) = \nu i(t) - \mu r(t) \end{cases}$$

где μ — константа, которая равна коэффициенту смертности и рождаемости. Реализуем эту модель в xcos. Тут нам понадобятся три блока суммирования и 4 блока констант (добавляется константа ν).

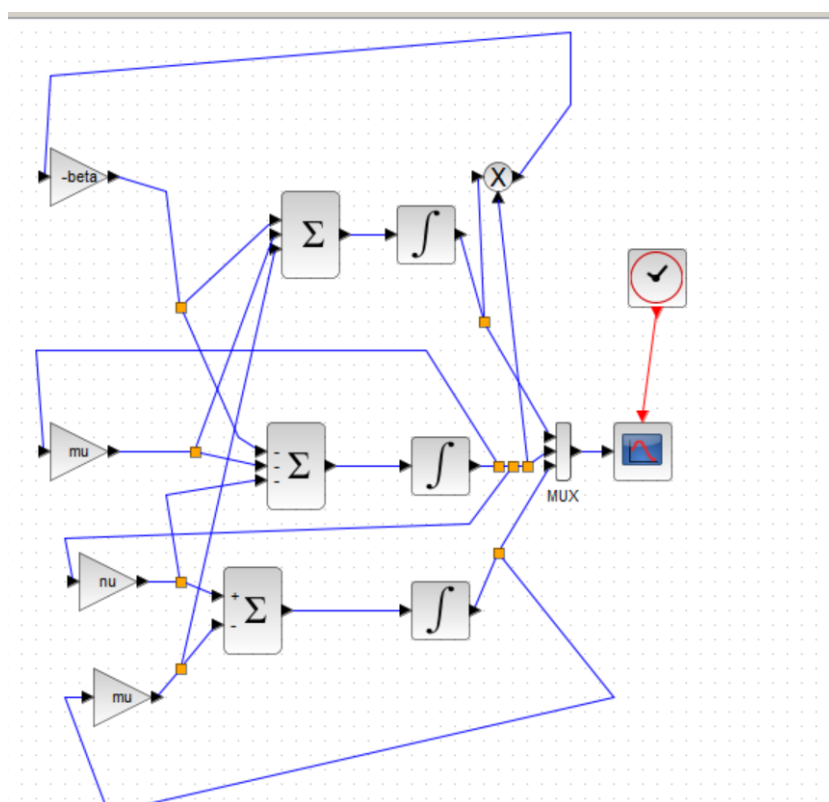
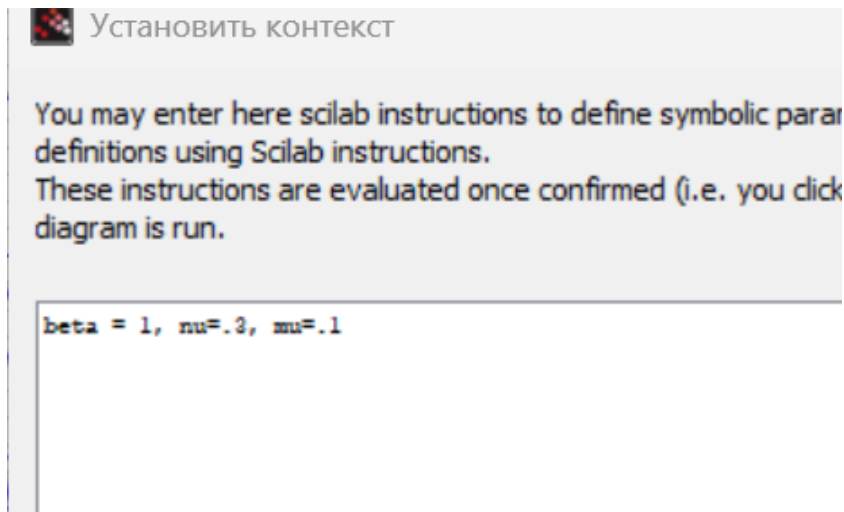


Рис. 10: Готовая модель

Задаем параметры



В результате получаем следующий график (рис. [-@fig:016]).

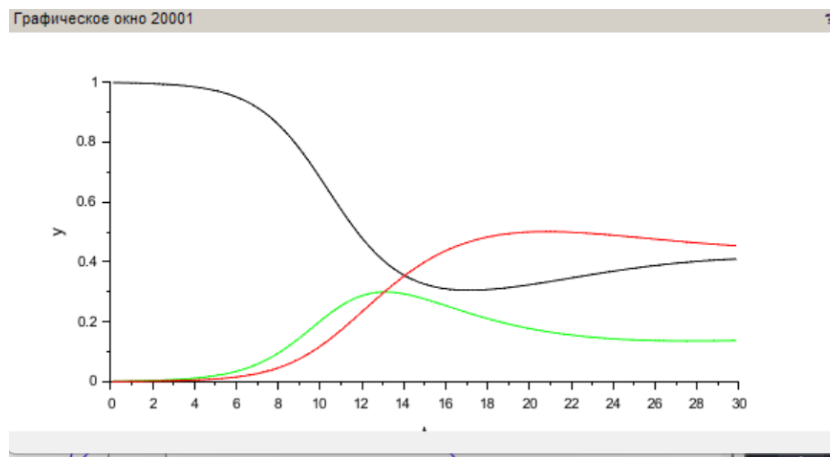


Рис. 11: Результат моделирования

Теперь реализуем модель SIR с учетом демографических процессов в xcos с помощью блоков Modelica (рис. [-@fig:017]).

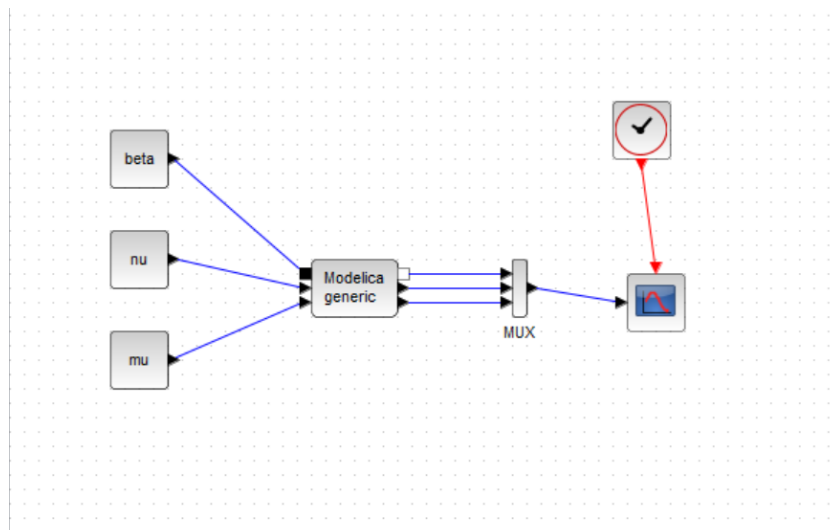
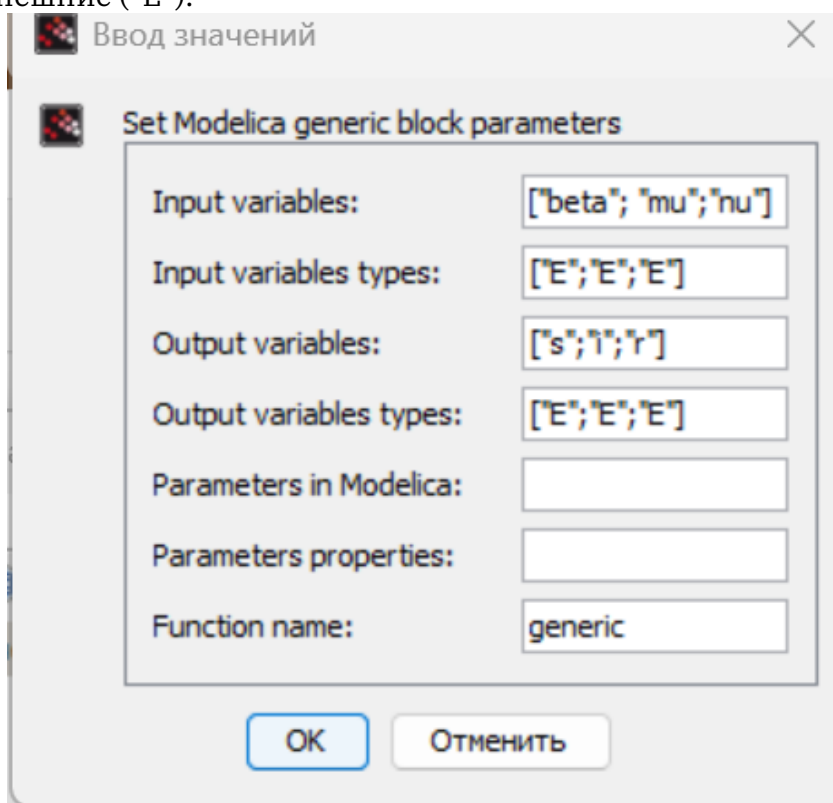
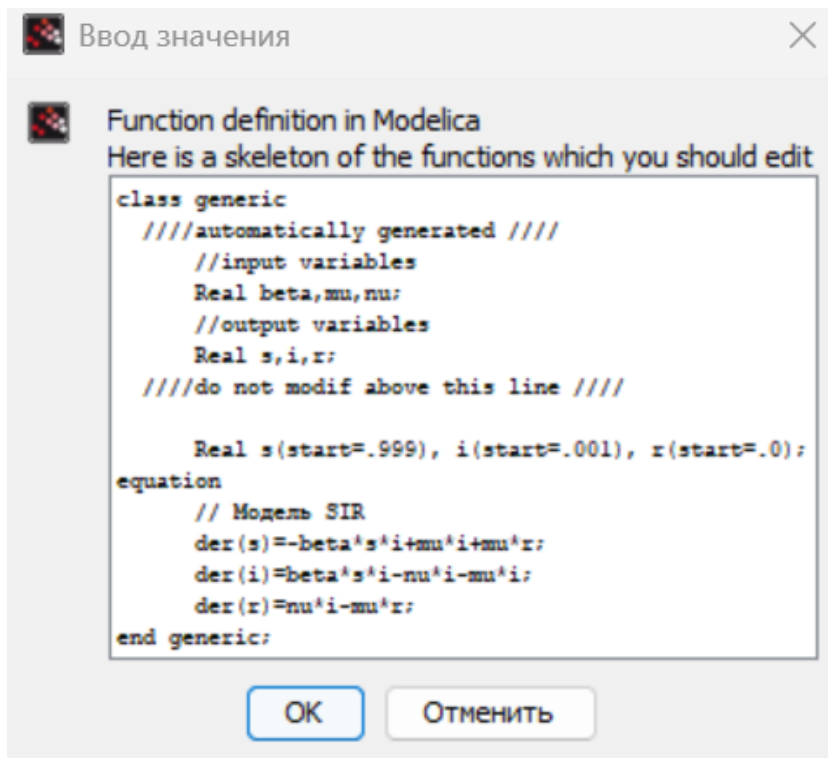


Рис. 12: Модель с блоком

Параметры блока Modelica представлены на рис. [-@fig:016],[-@fig:017]. Переменные на входе (“beta”, “nu”, “mu”) и выходе (“s”, “i”, “r”) блока заданы как внешние (“E”).





В результате получаем следующий график (рис. [-@fig:021]).

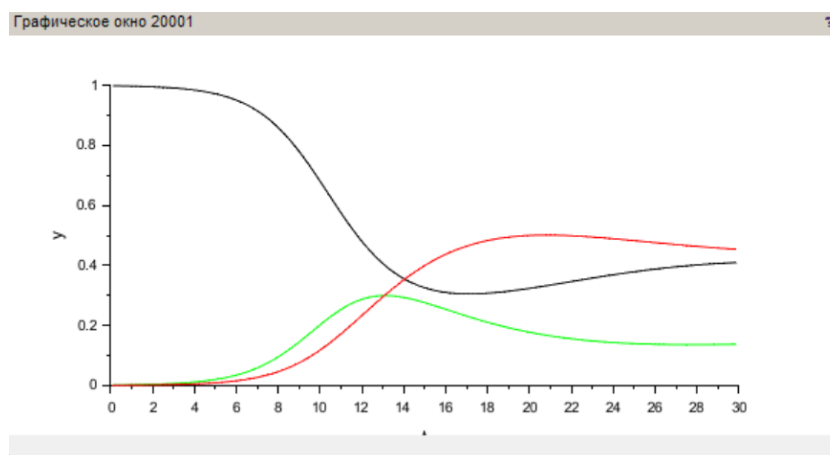


Рис. 13: Результат моделирования при $\mu=0.1$

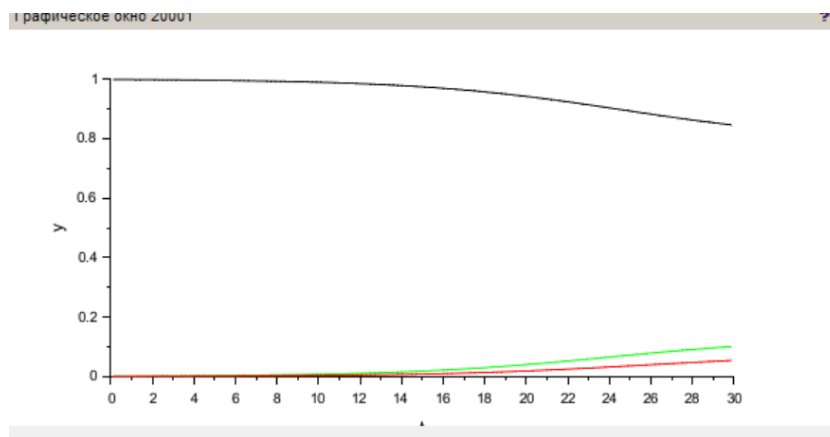


Рис. 14: Результат моделирования при $\mu=0.9$

Реализуем модель SIR с учетом демографических процессов на OpenModelica.

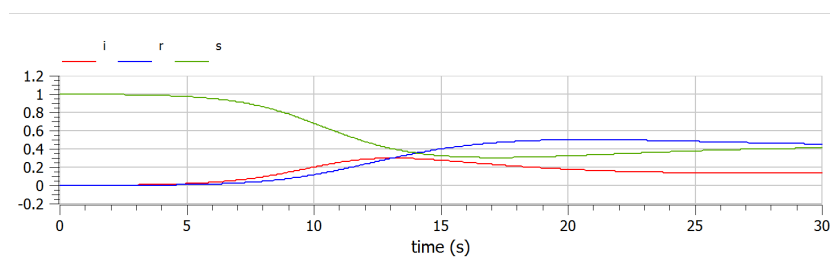


Рис. 15: Результат моделирования при $\mu=0.1$

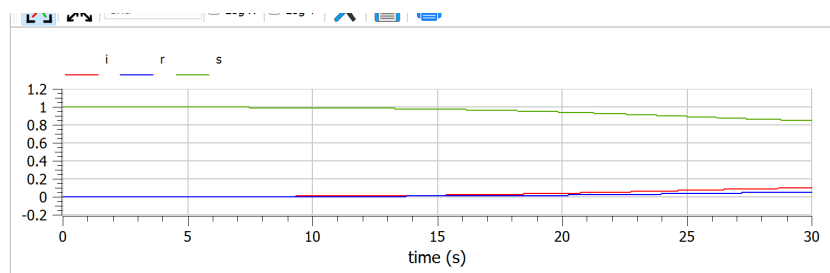


Рис. 16: Результат моделирования при $\mu=0.9$

Исходя из анализа графиков, можно сделать вывод, что чем выше значение любого из параметров, тем быстрее система достигает стационарного состояния. При высоком коэффициенте заражения β система быстро проходит через пик развития эпидемии и достигает стационарного состояния.

Выводы

В процессе выполнения данной лабораторной работы была построена модель SIR в xcos и OpenModelica