

Pruebas no paramétricas

Notas

Salida creada		05-SEP-2024 12:39:31
Comentarios		
Entrada	Conjunto de datos activo	ConjuntoDatos14
	Filtro	<ninguno>
	Ponderación	<ninguno>
	Segmentar archivo	<ninguno>
	N de filas en el archivo de datos de trabajo	400
Sintaxis		NPTESTS /RELATED TEST (MSGMSDc_BS MSGMSDc_KM MSGMSDc_MC MSGMSDc_WU MSGMSDc_OC MSGMSDc_VB MSGMSDc_NQ) /MISSING SCOPE=ANALYSIS USERMISSING=EXCLUDE /CRITERIA ALPHA=0.05 CILEVEL=95.
Recursos	Tiempo de procesador	00:00:00,88
	Tiempo transcurrido	00:00:00,89

Resumen de contrastes de hipótesis

	Hipótesis nula	Prueba	Sig. ^{a,b}
1	Las distribuciones de MS-GMSDc_BS, MS-GMSDc_KM, MS-GMSDc_MC, MS-GMSDc_WU, MS-GMSDc_OC, MS-GMSDc_VB y MS-...	Prueba de Friedman para muestras relacionadas para análisis de la varianza de dos factores por rangos	,000

Resumen de contrastes de hipótesis

	Decisión
1	Rechace la hipótesis nula.

a. El nivel de significación es de ,050.

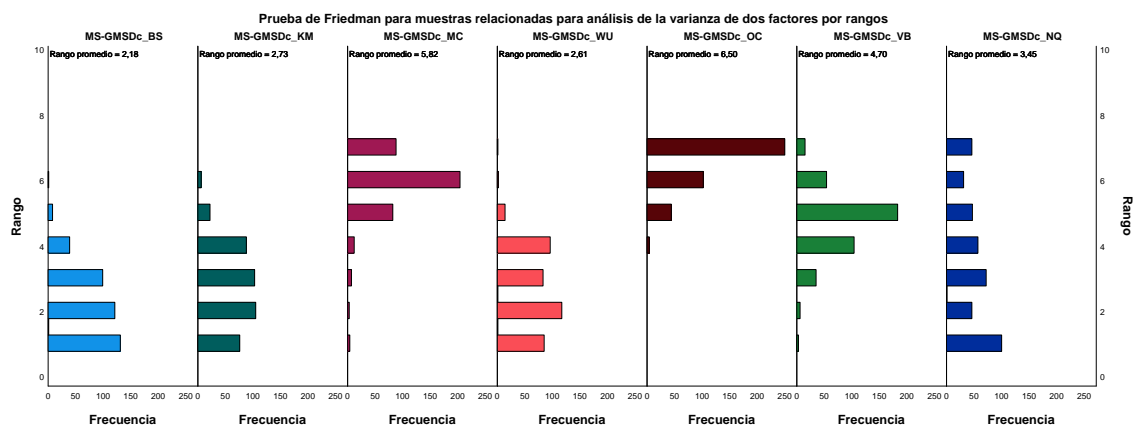
b. Se muestra la significancia asintótica.

Prueba de Friedman para muestras relacionadas para análisis de la varianza de dos factores por rangos

MS-GMSDc_BS, MS-GMSDc_KM, MS-GMSDc_MC, MS-GMSDc_WU, MS-GMSDc_OC, MS-GMSDc_VB, MS-GMSDc_NQ

Resumen de la prueba de Friedman para muestras relacionadas para análisis de la varianza de dos factores por rangos

N total	400
Estadístico de prueba	1471,451
Grado de libertad	6
Sig. asintótica (prueba bilateral)	,000



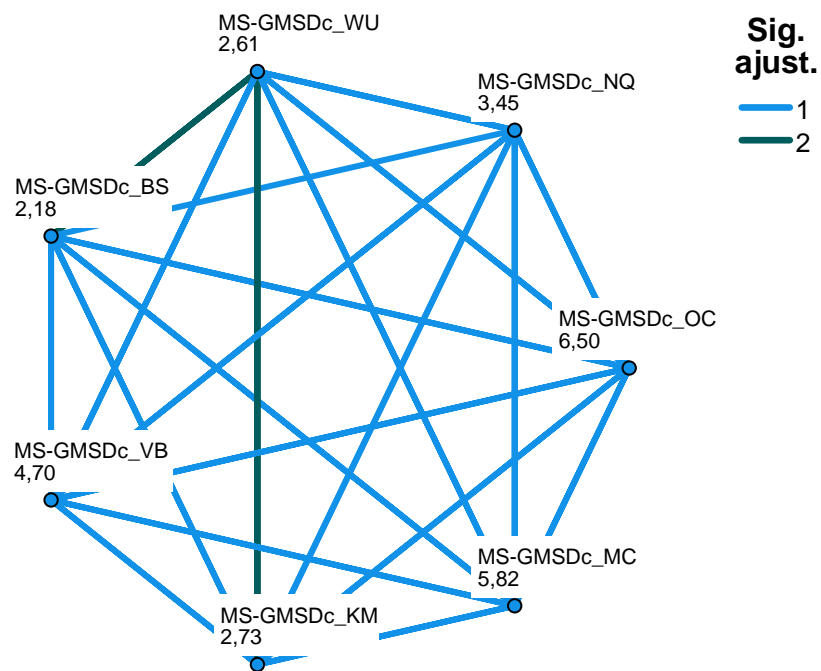
Comparaciones por parejas

Sample 1-Sample 2	Estadístico de prueba	Error estándar	Estadístico de prueba estándar	Sig.	Sig. ajust. ^a
MS-GMSDc_BS-MS-GMSDc_WU	-,429	,153	-2,807	,005	,105
MS-GMSDc_BS-MS-GMSDc_KM	-,549	,153	-3,592	<,001	,007
MS-GMSDc_BS-MS-GMSDc_NQ	-1,270	,153	-8,314	,000	,000
MS-GMSDc_BS-MS-GMSDc_VB	-2,516	,153	-16,473	,000	,000
MS-GMSDc_BS-MS-GMSDc_MC	-3,639	,153	-23,821	,000	,000
MS-GMSDc_BS-MS-GMSDc_OC	-4,311	,153	-28,224	,000	,000
MS-GMSDc_WU-MS-GMSDc_KM	,120	,153	,786	,432	1,000
MS-GMSDc_WU-MS-GMSDc_NQ	-,841	,153	-5,507	<,001	,000
MS-GMSDc_WU-MS-GMSDc_VB	-2,087	,153	-13,666	,000	,000
MS-GMSDc_WU-MS-GMSDc_MC	3,210	,153	21,014	,000	,000
MS-GMSDc_WU-MS-GMSDc_OC	-3,882	,153	-25,417	,000	,000
MS-GMSDc_KM-MS-GMSDc_NQ	-,721	,153	-4,722	<,001	,000
MS-GMSDc_KM-MS-GMSDc_VB	-1,967	,153	-12,880	,000	,000
MS-GMSDc_KM-MS-GMSDc_MC	-3,090	,153	-20,229	,000	,000
MS-GMSDc_KM-MS-GMSDc_OC	-3,762	,153	-24,631	,000	,000
MS-GMSDc_NQ-MS-GMSDc_VB	1,246	,153	8,159	<,001	,000
MS-GMSDc_NQ-MS-GMSDc_MC	2,369	,153	15,507	,000	,000
MS-GMSDc_NQ-MS-GMSDc_OC	3,041	,153	19,910	,000	,000
MS-GMSDc_VB-MS-GMSDc_MC	1,123	,153	7,348	<,001	,000
MS-GMSDc_VB-MS-GMSDc_OC	1,795	,153	11,751	,000	,000
MS-GMSDc_MC-MS-GMSDc_OC	-,672	,153	-4,403	<,001	,000

Cada fila prueba la hipótesis nula que las distribuciones de la Muestra 1 y la Muestra 2 son iguales. Se visualizan las significaciones asintóticas (pruebas bilaterales). El nivel de significación es de ,050.

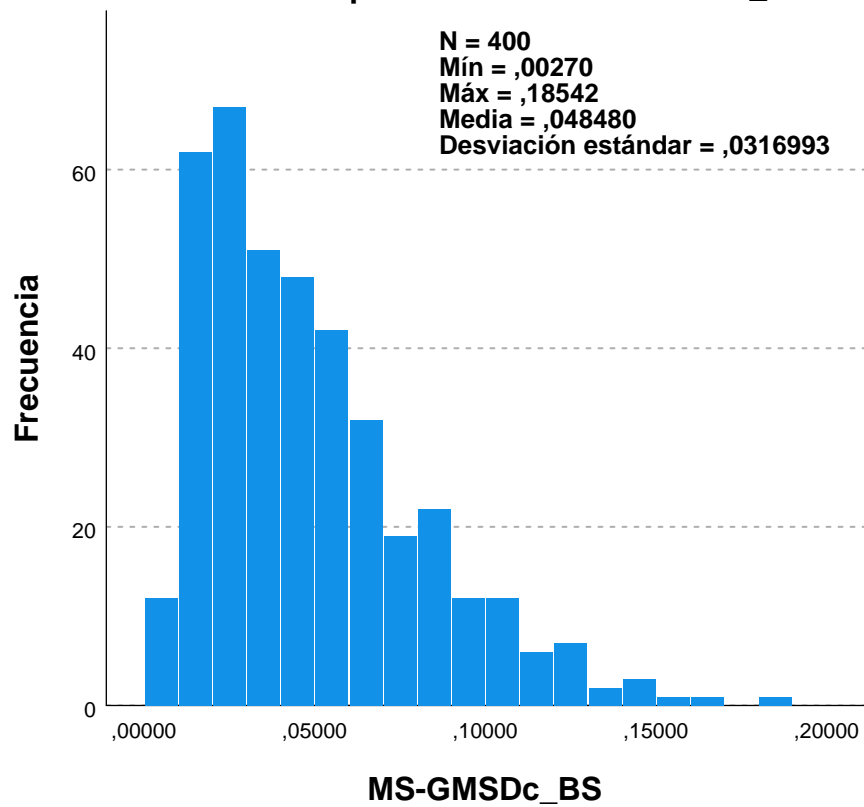
a. Los valores de significación se han ajustado mediante la corrección Bonferroni para varias pruebas.

Comparaciones por parejas

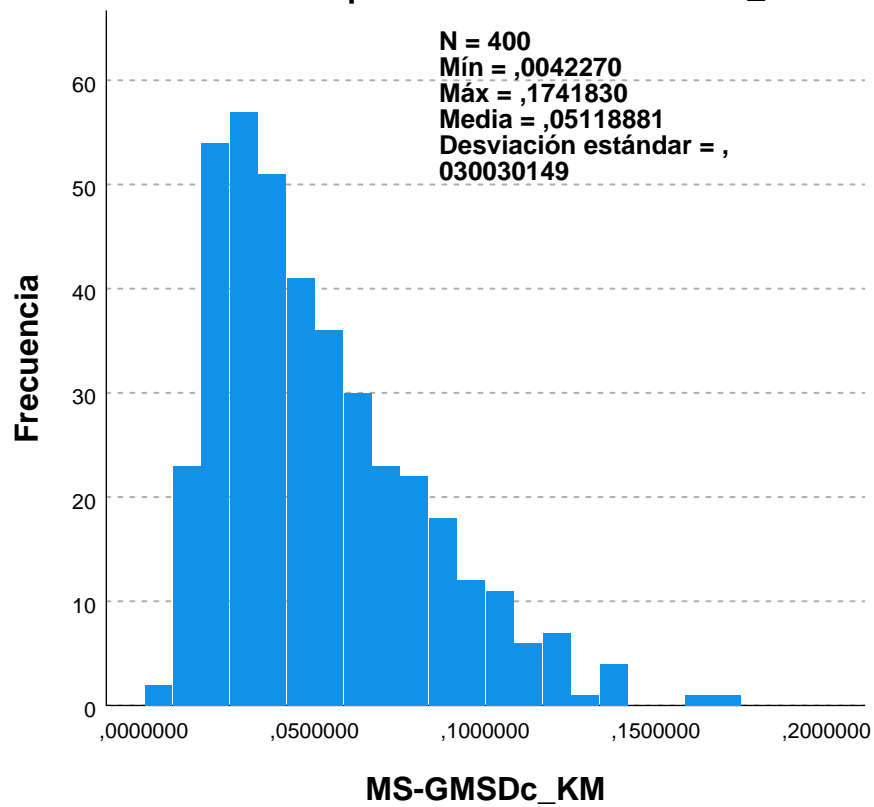


Cada nodo muestra en número de muestra de éxitos.

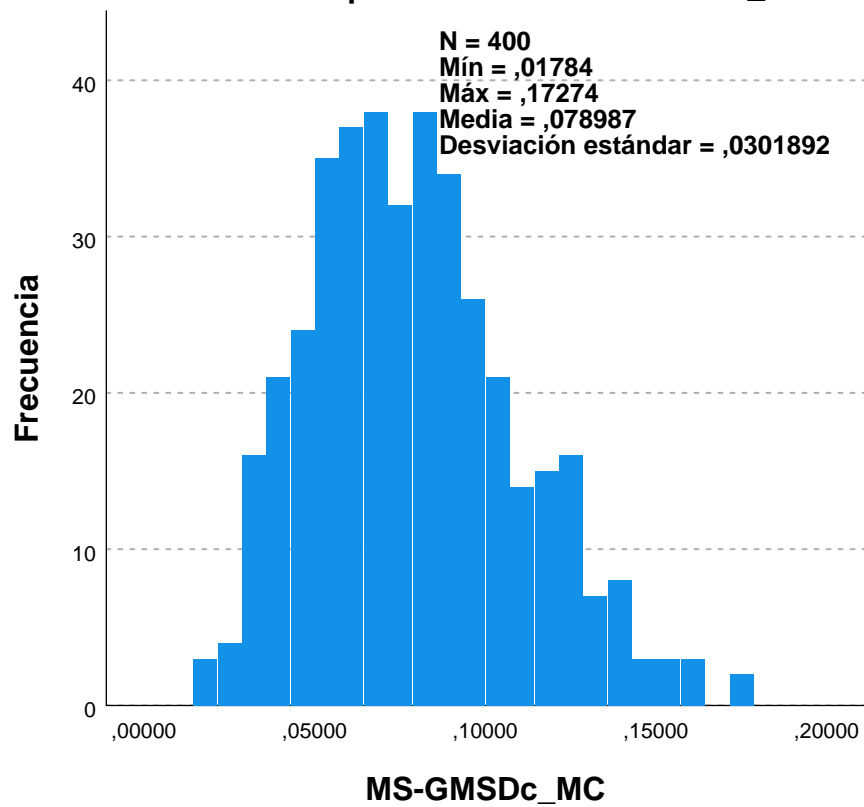
Información de campos continuos MS-GMSDc_BS



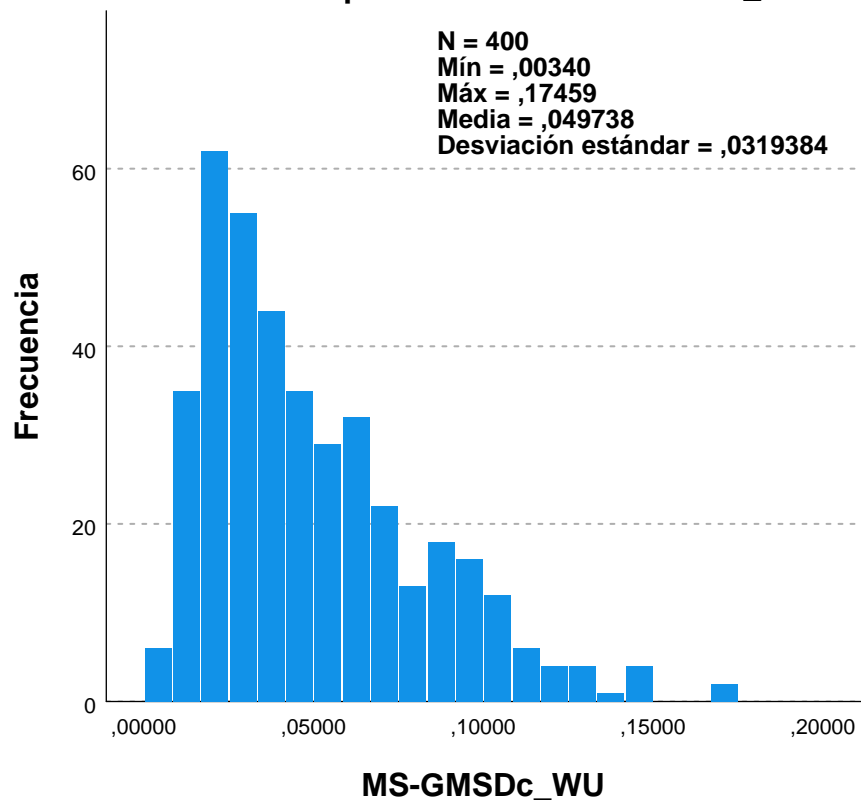
Información de campos continuos MS-GMSDc_KM



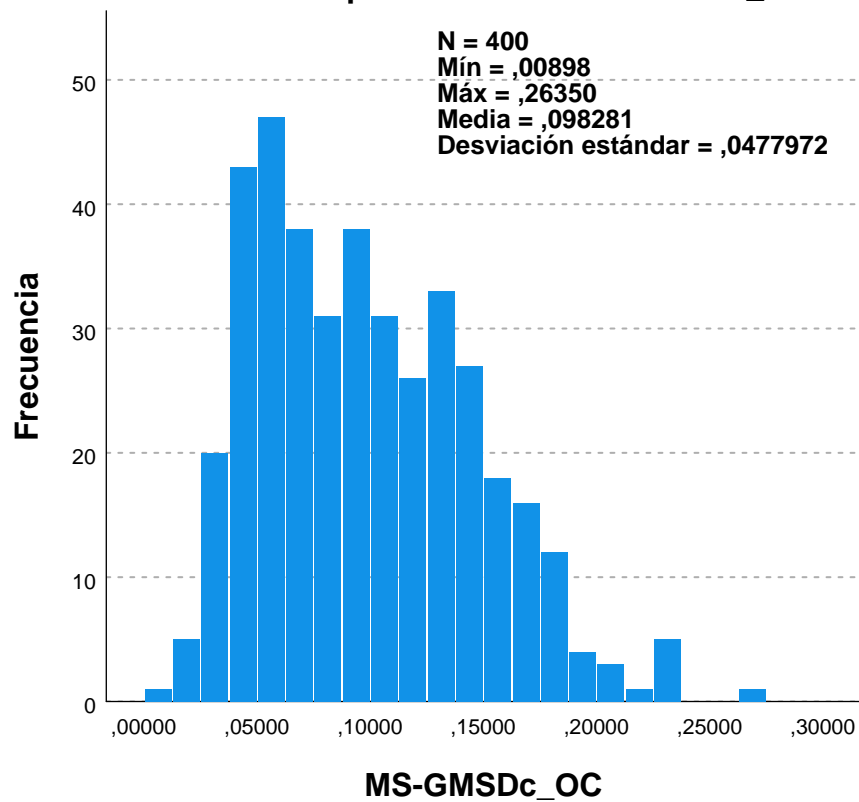
Información de campos continuos MS-GMSDc_MC



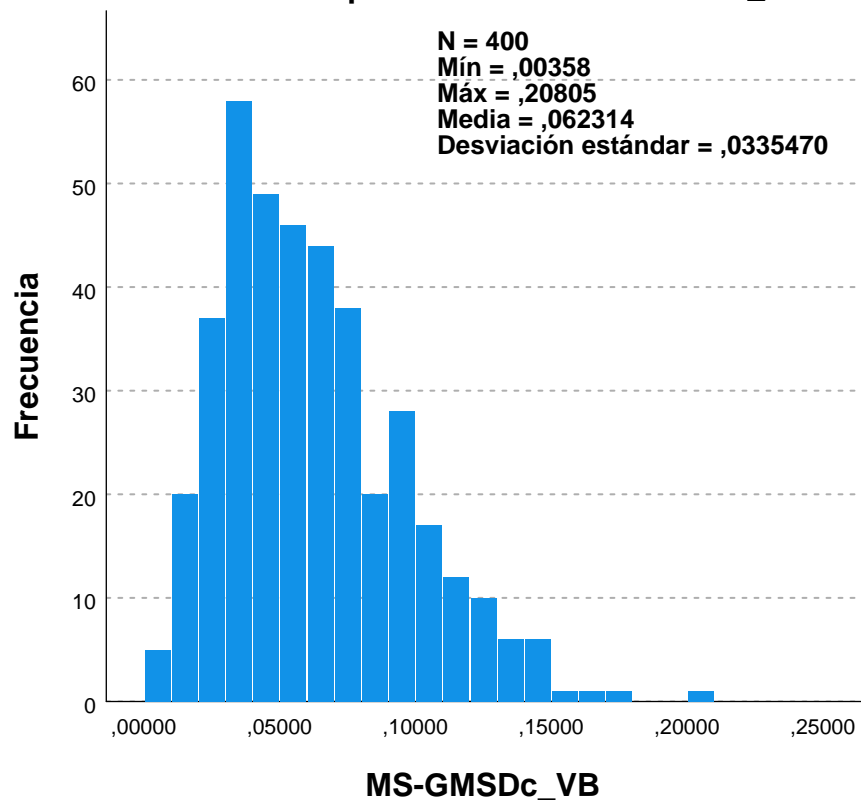
Información de campos continuos MS-GMSDc_WU



Información de campos continuos MS-GMSDc_OC



Información de campos continuos MS-GMSDc_VB



Información de campos continuos MS-GMSDc_NQ

