### Pruebas no paramétricas

#### **Notas**

Salida creada		05-SEP-2024 12:28:01		
Comentarios				
Entrada	Conjunto de datos activo	ConjuntoDatos5		
	Filtro	<ninguno></ninguno>		
	Ponderación	<ninguno></ninguno>		
	Segmentar archivo	<ninguno></ninguno>		
	N de filas en el archivo de datos de trabajo	400		
Sintaxis		NPTESTS /RELATED TEST (MAE_BS MAE_KM MAE_MC MAE_WU MAE_OC MAE_VB MAE_NQ) /MISSING SCOPE=ANALYSIS USERMISSING=EXCLUDE /CRITERIA ALPHA=0.05		
Recursos	Tiempo de procesador	00:00:00,92		
	Tiempo transcurrido	00:00:00,93		

### Resumen de contrastes de hipótesis

	Hipótesis nula	Prueba	Sig. <sup>a,b</sup>
1	Las distribuciones de MAE_BS, MAE_KM, MAE_MC, MAE_WU, MAE_OC, MAE_VB y MAE_NQ son iguales.	Prueba de Friedman para muestras relacionadas para análisis de la varianza de dos factores por rangos	,000

#### Resumen de contrastes de hipótesis

	Decisión		
1	Rechace la hipótesis nula.		

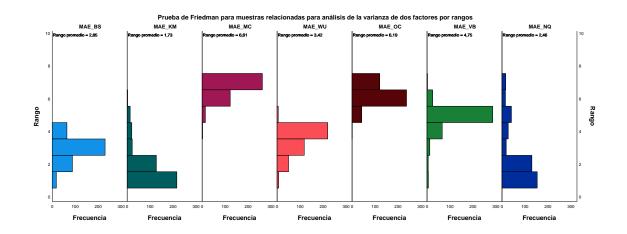
- a. El nivel de significación es de ,050.
- b. Se muestra la significancia asintótica.

Prueba de Friedman para muestras relacionadas para análisis de la varianza de dos fa ctores por rangos

MAE\_BS, MAE\_KM, MAE\_MC, MAE\_WU, MAE\_OC, MAE\_VB, MAE\_NQ

### Resumen de la prueba de Friedman para muestras relacionadas para análisis de la varianza de dos factores por rangos

N total	400
Estadístico de prueba	1830,880
Grado de libertad	6
Sig. asintótica (prueba bilateral)	,000



## Comparaciones por parejas

	Estadístico de		Estadístico de		
Sample 1-Sample 2	prueba	Error estándar	prueba estándar	Sig.	Sig. ajust. <sup>a</sup>
MAE_KM-MAE_NQ	-,722	,153	-4,730	<,001	,000
MAE_KM-MAE_BS	1,118	,153	7,316	<,001	,000
MAE_KM-MAE_WU	-1,682	,153	-11,015	,000	,000
MAE_KM-MAE_VB	-3,015	,153	-19,738	,000	,000
MAE_KM-MAE_OC	-4,457	,153	-29,181	,000	,000
MAE_KM-MAE_MC	-4,877	,153	-31,931	,000	,000
MAE_NQ-MAE_BS	,395	,153	2,586	,010	,204
MAE_NQ-MAE_WU	,960	,153	6,285	<,001	,000
MAE_NQ-MAE_VB	2,293	,153	15,008	,000	,000
MAE_NQ-MAE_OC	3,735	,153	24,451	,000	,000
MAE_NQ-MAE_MC	4,155	,153	27,201	,000	,000
MAE_BS-MAE_WU	-,565	,153	-3,699	<,001	,005
MAE_BS-MAE_VB	-1,897	,153	-12,422	,000	,000
MAE_BS-MAE_OC	-3,340	,153	-21,865	,000	,000
MAE_BS-MAE_MC	-3,760	,153	-24,615	,000	,000
MAE_WU-MAE_VB	-1,332	,153	-8,723	,000	,000
MAE_WU-MAE_OC	-2,775	,153	-18,167	,000	,000
MAE_WU-MAE_MC	3,195	,153	20,916	,000	,000
MAE_VB-MAE_OC	1,443	,153	9,443	,000	,000

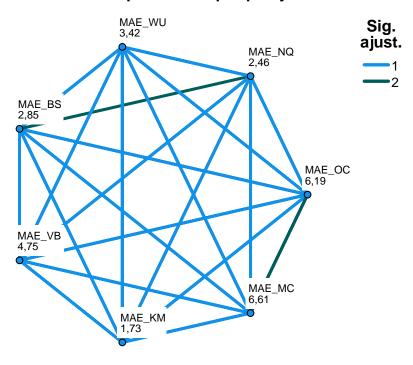
#### Comparaciones por parejas

Sample 1-Sample 2	Estadístico de prueba	Error estándar	Estadístico de prueba estándar	Sig.	Sig. ajust. <sup>a</sup>
MAE_VB-MAE_MC	1,863	,153	12,193	,000	,000
MAE_OC-MAE_MC	,420	,153	2,750	,006	,125

Cada fila prueba la hipótesis nula que las distribuciones de la Muestra 1 y la Muestra 2 son iguales. Se visualizan las significaciones asintóticas (pruebas bilaterales). El nivel de significación es de ,050.

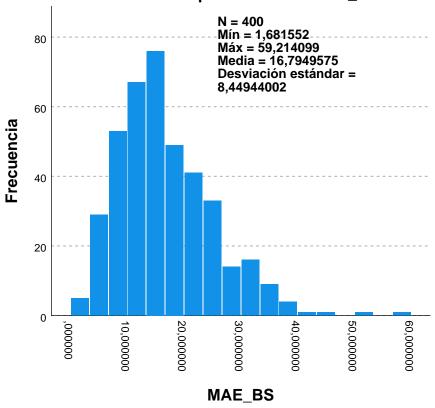
a. Los valores de significación se han ajustado mediante la corrección Bonferroni para varias pruebas.

### Comparaciones por parejas

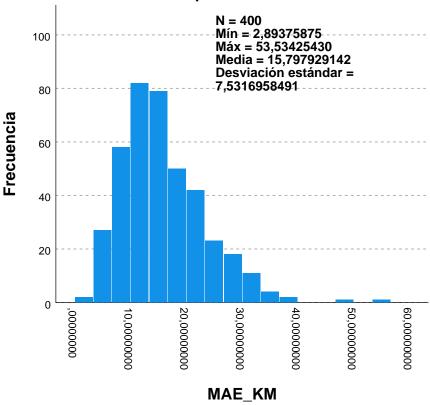


Cada nodo muestra en número de muestra de éxitos.

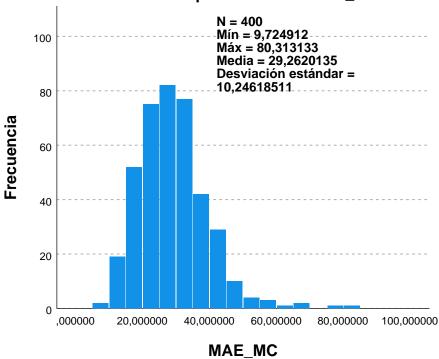
# Información de campos continuos MAE\_BS



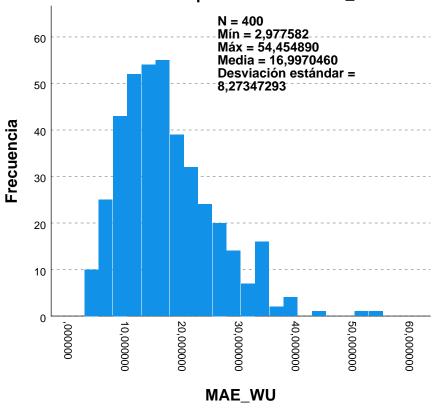
# Información de campos continuos MAE\_KM



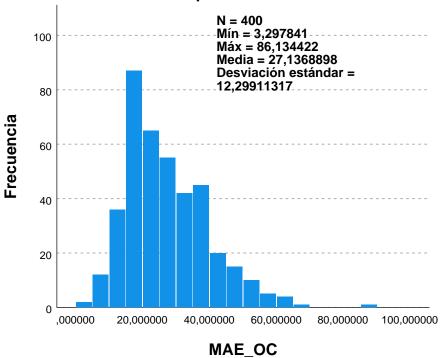
# Información de campos continuos MAE\_MC



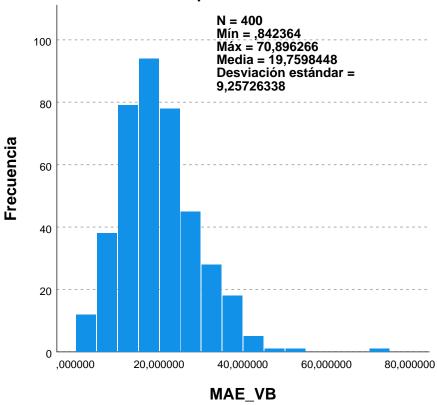
# Información de campos continuos MAE\_WU



# Información de campos continuos MAE\_OC



# Información de campos continuos MAE\_VB



# Información de campos continuos MAE\_NQ

