

Pruebas no paramétricas

Notas

Salida creada	05-SEP-2024 12:33:34	
Comentarios		
Entrada	Conjunto de datos activo	ConjuntoDatos9
	Filtro	<ninguno>
	Ponderación	<ninguno>
	Segmentar archivo	<ninguno>
	N de filas en el archivo de datos de trabajo	400
Sintaxis	NPTESTS /RELATED TEST (GMSD_BS GMSD_KM GMSD_MC GMSD_WU GMSD_OC GMSD_VB GMSD_NQ) /MISSING SCOPE=ANALYSIS USERMISSING=EXCLUDE /CRITERIA ALPHA=0.05 CILEVEL=95.	
Recursos	Tiempo de procesador	00:00:00,86
	Tiempo transcurrido	00:00:00,83

Resumen de contrastes de hipótesis

	Hipótesis nula	Prueba	Sig. ^{a,b}
1	Las distribuciones de GMSD_BS, GMSD_KM, GMSD_MC, GMSD_WU, GMSD_OC, GMSD_VB y GMSD_NQ son iguales.	Prueba de Friedman para muestras relacionadas para análisis de la varianza de dos factores por rangos	,000

Resumen de contrastes de hipótesis

	Decisión
1	Rechaza la hipótesis nula.

a. El nivel de significación es de ,050.

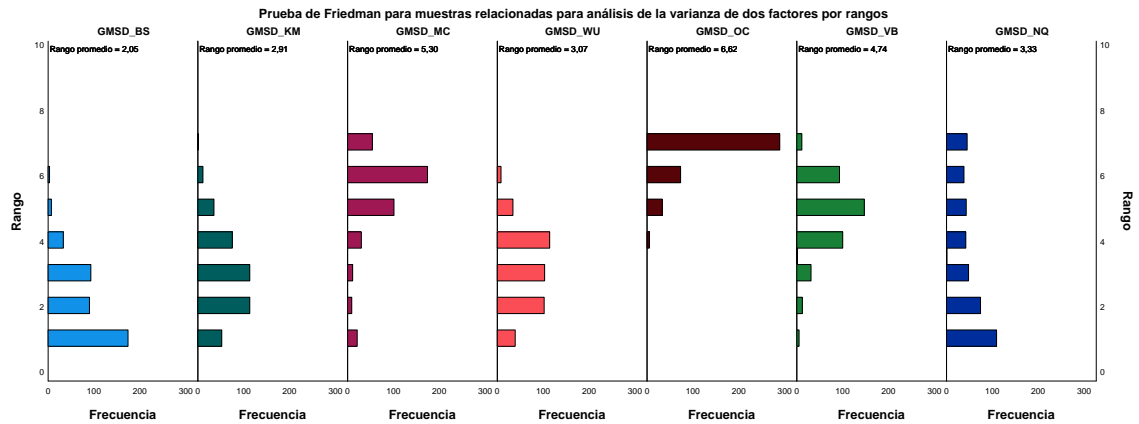
b. Se muestra la significancia asintótica.

Prueba de Friedman para muestras relacionadas para análisis de la varianza de dos factores por rangos

GMSD_BS, GMSD_KM, GMSD_MC, GMSD_WU, GMSD_OC, GMSD_VB, GMSD_NQ

Resumen de la prueba de Friedman para muestras relacionadas para análisis de la varianza de dos factores por rangos

N total	400
Estadístico de prueba	1320,087
Grado de libertad	6
Sig. asintótica (prueba bilateral)	,000



Comparaciones por parejas

Sample 1-Sample 2	Estadístico de prueba	Error estándar	Estadístico de prueba estándar	Sig.	Sig. ajust. ^a
GMSD_BS-GMSD_KM	-,867	,153	-5,679	<,001	,000
GMSD_BS-GMSD_WU	-1,020	,153	-6,677	<,001	,000
GMSD_BS-GMSD_NQ	-1,281	,153	-8,388	,000	,000
GMSD_BS-GMSD_VB	-2,694	,153	-17,635	,000	,000
GMSD_BS-GMSD_MC	-3,252	,153	-21,293	,000	,000
GMSD_BS-GMSD_OC	-4,570	,153	-29,918	,000	,000
GMSD_KM-GMSD_WU	-,152	,153	-,998	,318	1,000
GMSD_KM-GMSD_NQ	-,414	,153	-2,709	,007	,142
GMSD_KM-GMSD_VB	-1,826	,153	-11,956	,000	,000
GMSD_KM-GMSD_MC	-2,385	,153	-15,613	,000	,000
GMSD_KM-GMSD_OC	-3,702	,153	-24,239	,000	,000
GMSD_WU-GMSD_NQ	-,261	,153	-1,710	,087	1,000
GMSD_WU-GMSD_VB	-1,674	,153	-10,957	,000	,000
GMSD_WU-GMSD_MC	2,233	,153	14,615	,000	,000
GMSD_WU-GMSD_OC	-3,550	,153	-23,240	,000	,000
GMSD_NQ-GMSD_VB	1,413	,153	9,247	,000	,000
GMSD_NQ-GMSD_MC	1,971	,153	12,905	,000	,000
GMSD_NQ-GMSD_OC	3,289	,153	21,530	,000	,000
GMSD_VB-GMSD_MC	,559	,153	3,658	<,001	,005

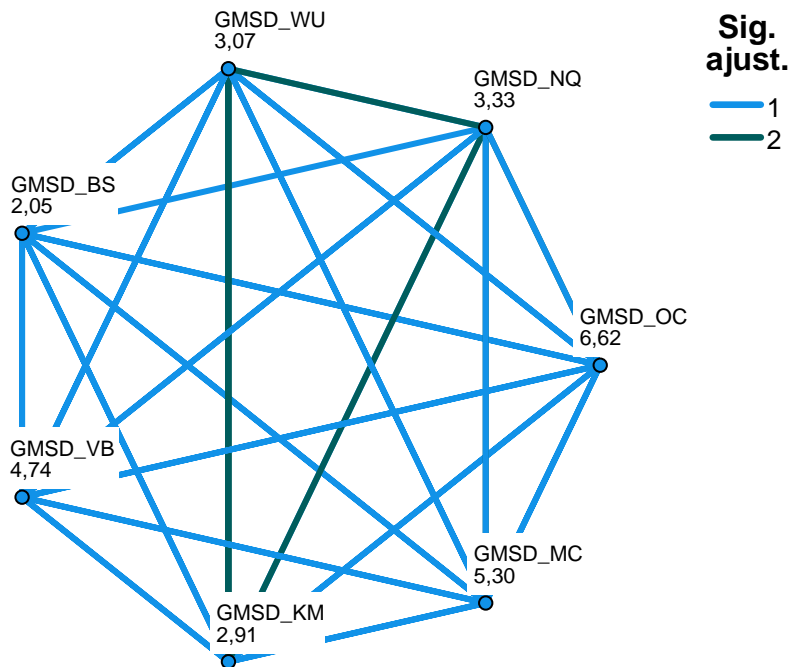
Comparaciones por parejas

Sample 1-Sample 2	Estadístico de prueba	Error estándar	Estadístico de prueba estándar	Sig.	Sig. ajust. ^a
GMSD_VB-GMSD_OC	1,876	,153	12,283	,000	,000
GMSD_MC-GMSD_OC	-1,317	,153	-8,625	,000	,000

Cada fila prueba la hipótesis nula que las distribuciones de la Muestra 1 y la Muestra 2 son iguales. Se visualizan las significaciones asintóticas (pruebas bilaterales). El nivel de significación es de ,050.

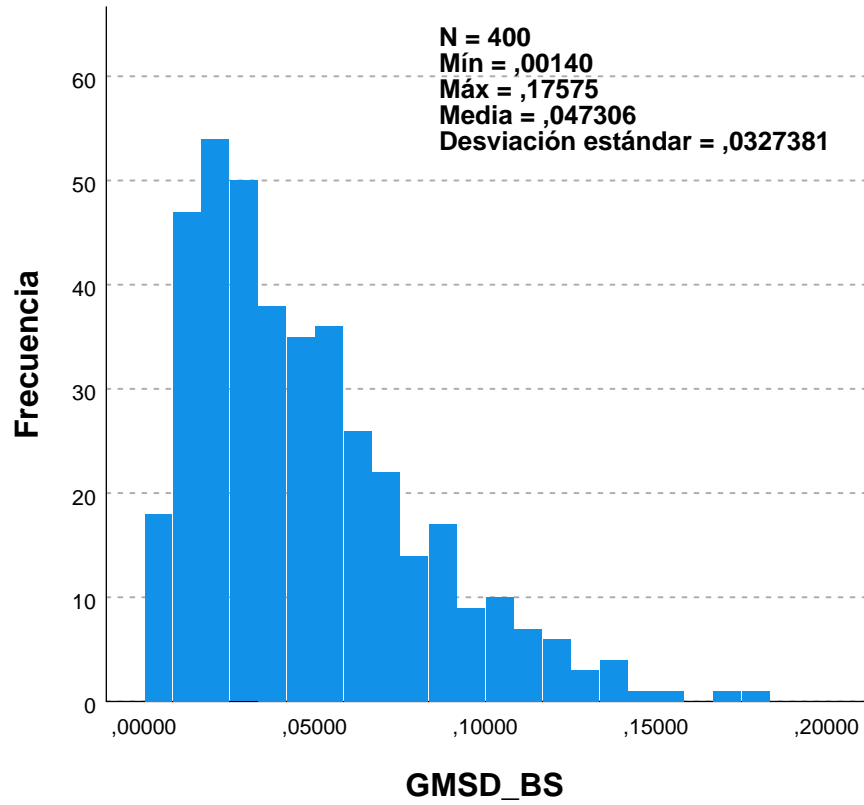
- a. Los valores de significación se han ajustado mediante la corrección Bonferroni para varias pruebas.

Comparaciones por parejas

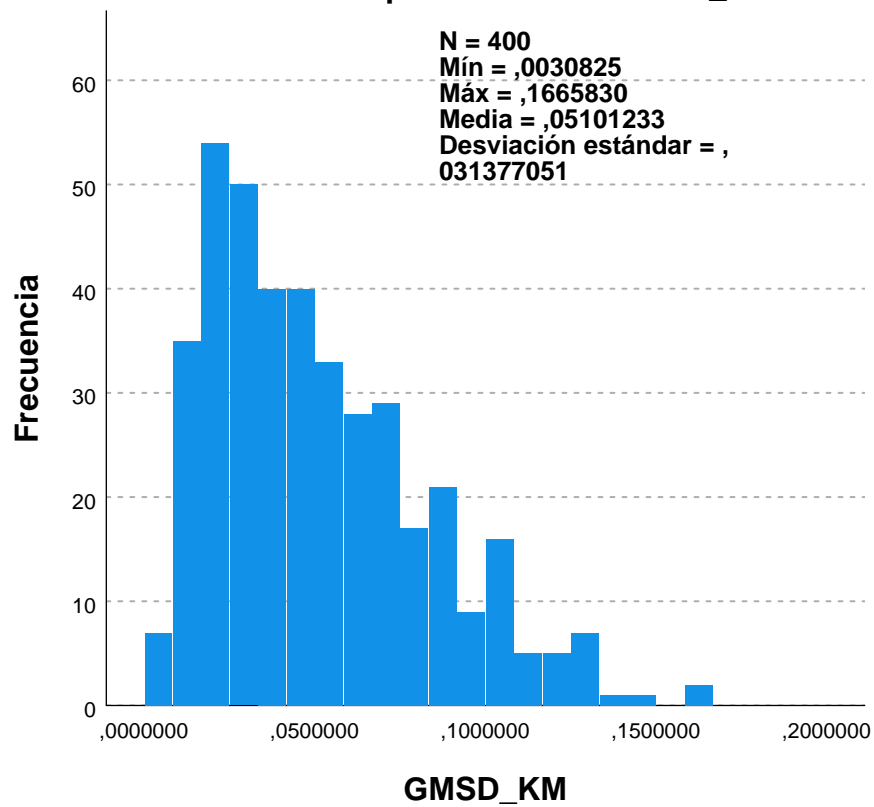


Cada nodo muestra en número de muestra de éxitos.

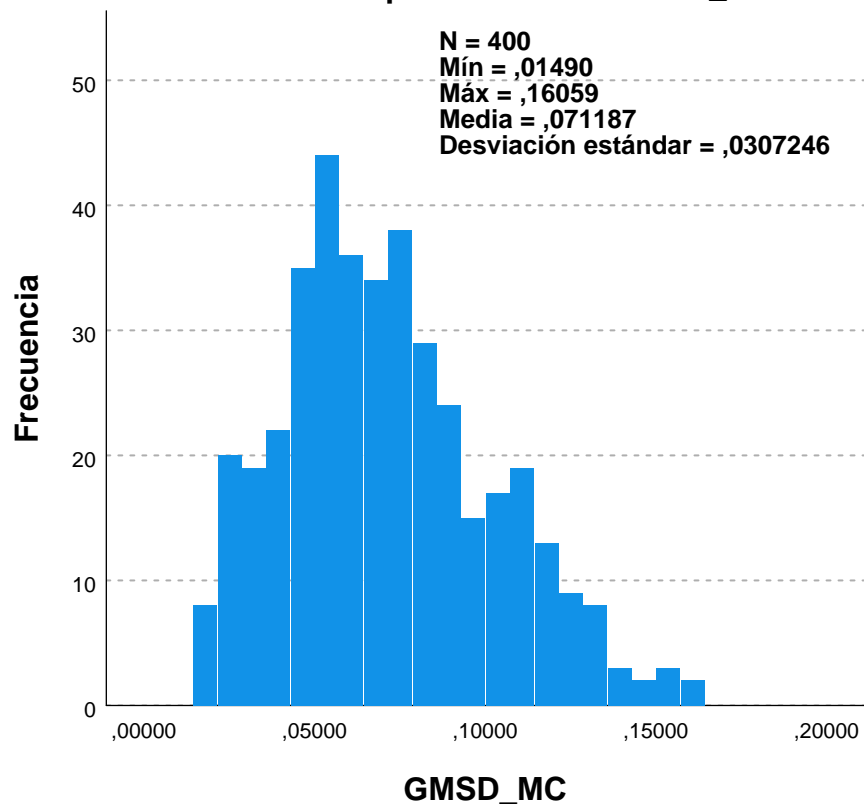
Información de campos continuos GMSD_BS



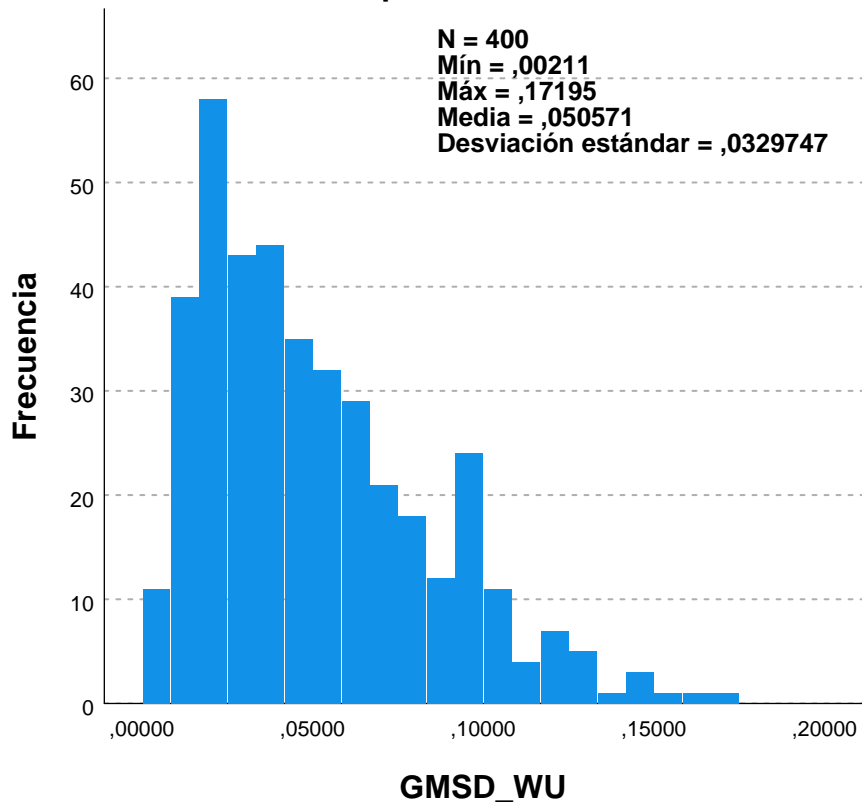
Información de campos continuos GMSD_KM



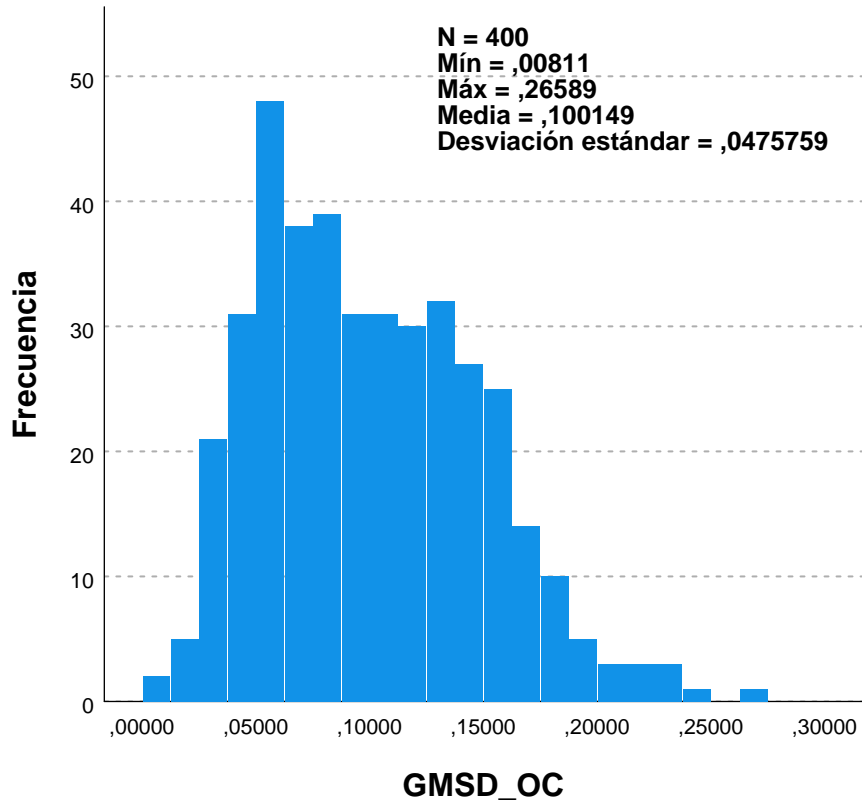
Información de campos continuos GMSD_MC



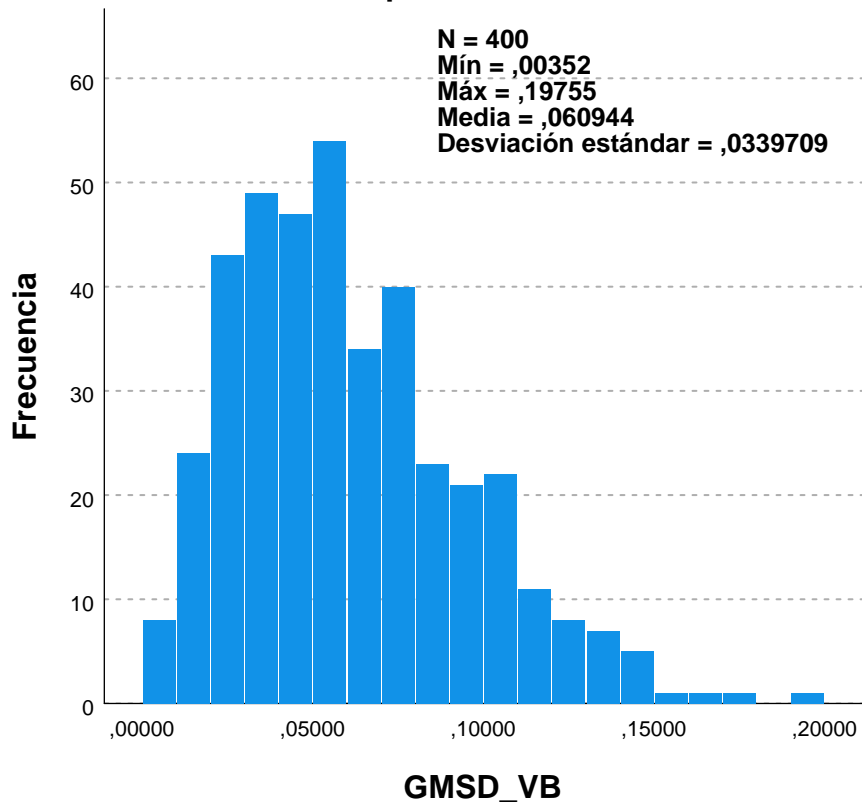
Información de campos continuos GMSD_WU



Información de campos continuos GMSD_OC



Información de campos continuos GMSD_VB



Información de campos continuos GMSD_NQ

