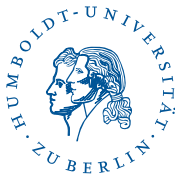


Semesterprojekt Verteiltes Genom Browsing

Git



Institut für Informatik
Humboldt-Universität zu Berlin

24.11.2015

Welche Repositorys verwenden wir?

Je eins für den Quellcode jedes Teilprojekts

- ▶ `github.com/hu-semesterprojekt-genombrowser/Alazen-Integration`
- ▶ `github.com/hu-semesterprojekt-genombrowser/Alazen-Middleware`
- ▶ `github.com/hu-semesterprojekt-genombrowser/Alazen-GUI`

Welche Repositorys verwenden wir?

Ein gesamt Repository

`github.com/hu-semesterprojekt-genombrowser/Alazen`
für

- ▶ Software Entwürfe

Welche Repositorys verwenden wir?

Ein gesamt Repository

`github.com/hu-semesterprojekt-genombrowser/Alazen`
für

- ▶ Software Entwürfe
- ▶ Wiki

Welche Repositorys verwenden wir?

Ein gesamt Repository

`github.com/hu-semesterprojekt-genombrowser/Alazen`
für

- ▶ Software Entwürfe
- ▶ Wiki
- ▶ Folien

Welche Repositorys verwenden wir?

Ein gesamt Repository

`github.com/hu-semesterprojekt-genombrowser/Alazen`
für

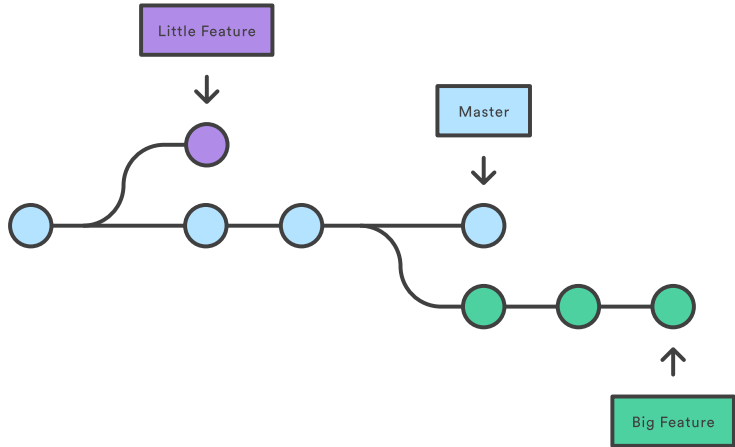
- ▶ Software Entwürfe
- ▶ Wiki
- ▶ Folien
- ▶ Lauffähige Versionen

Branches

Warum?

- ▶ Zu viele Menschen sollen nicht gleichzeitig an einer Datei arbeiten
- ▶ Neue Features sollen von allen kommentiert werden können (Merge Requests)

Konzept



Nützliche Links

Eine sehr gute Giteinführung

- ▶ <https://www.atlassian.com/git/tutorials/>

Git Dokumentation

- ▶ <https://git-scm.com/doc>