目次

1. 序論
   1. 研究背景
   2. 研究目的
2. 先行研究
   1. CryptoSite: Expanding the Druggable Proteome by Characterization and Prediction of Cryptic Binding Site
   2. Deciphering Cryptic Binding Sites on Proteins by Mixed-Solvent Molecular Dynamics
3. 手法
   1. 構築パイプライン
   2. 各工程の詳細
4. 結果
5. 考察
6. 展望
7. 結論
8. 引用文献