Informe de Integración de Resultados - Caso BioNet

Mateo Encalada

1. Identificación del problema

La empresa BioNet enfrenta problemas en la integración de resultados de exámenes provenientes de varios laboratorios distribuidos en el país. Cada laboratorio genera archivos CSV con sus resultados y los transfiere manualmente a un servidor compartido. Este enfoque provoca diversos riesgos:

- Riesgo de datos duplicados o sobrescritos.
- Errores de sincronización por archivos incompletos o mal formateados.
- Falta de trazabilidad y auditoría de inserciones.
- Conflictos por accesos concurrentes a la base de datos central.



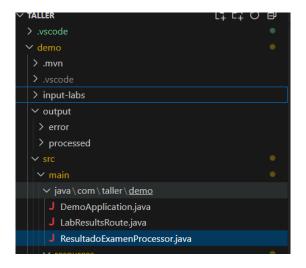
2. Justificación del uso de los patrones

Se utilizaron dos patrones de integración clásicos:

- Transferencia de Archivos: para recolectar los archivos `.csv` de resultados desde una carpeta compartida (`input-labs`). Este patrón es ideal cuando los sistemas están desconectados y no hay APIs comunes.
- Base de Datos Compartida: para consolidar los datos en una única base de datos `bionet`, accesible por el sistema central. Esta base sirve como punto de verdad para reportes y auditorías.

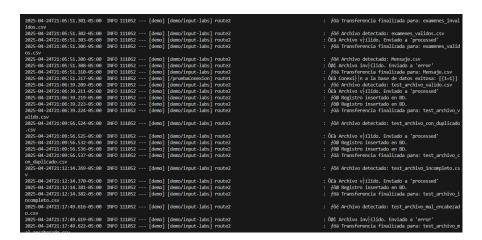
3. Diseño de alto nivel de la solución

3.1 Estructura de carpetas



3.2 Flujo de integración

- 1. El sistema Camel escucha la carpeta 'input-labs/'.
- 2. Valida el encabezado del archivo CSV.
- 3. Si es válido:
- Mueve el archivo a `output/processed/`
- Inserta sus datos en la tabla `resultados_examenes` usando `jdbc:dataSource`.
- El trigger de la base registra el cambio en `log_cambios_resultados`.
- 4. Si el archivo es inválido:
 - Lo mueve a `output/error/`



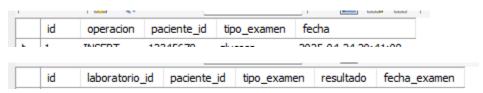
3.3 Esquema de base de datos sugerido

Tabla: resultados_examenes

- id (PK)
- laboratorio_id
- paciente_id
- tipo_examen
- resultado
- fecha_examen

Tabla: log_cambios_resultados

- id (PK)
- operacion
- paciente_id
- tipo_examen
- fecha



Link al git

https://github.com/MateoEncalada/Examen