Application d'une analyse de type *Machine Learning* en épidémiologie

Identification des dimensions de l'activité physique et du comportement sédentaire qui prédisent le risque de mortalité chez les personnes âgées, basée sur le développement d'un modèle sur les données d'accéléromètre de la cohorte Whitehall







Sommaire

- Partie 1 : Présentation du contexte de l'étude, des objectifs de la méthode, des principes, et de l'interprétation
- Partie 2 : Présentation du code R

Régression linéaire multiple

- Suppose que le nombre d'observation > nombre de variables explicatives
- Suppose que les variables ne soient pas trop corrélées entre elles

Contraintes peu satisfaites en pratique (notamment pour les variables dérivées des données d'accéléromètre)

Partial Least Square (PLS)



 Alternative à la régression linéaire multiple en cas de forte colinéarité entre les variables ou lorsque le nombre de variables >> nombre d'observations (Tenenhaus 1999; Wold 1975; Wold, Martens, and Wold 1983)

• But :

- construire des « composantes latentes » combinaisons linéaires de l'ensemble des X_j
- composantes latentes utilisées comme nouvelles variables explicatives dans une analyse de régression standard

Note: Différences avec l'analyse en composantes principales (ACP):

- PLS utilise aussi Y pour construire les « composantes latentes ».
- PCA extrait des composantes qui explique la variance dans les X_j tandis que PLS extrait des composantes qui ont une forte covariance avec y

Partial Least Square (PLS)

PLS

- Limites : en cas de très grand nombre de prédicteurs, notamment en cas de nombreuses variables non pertinentes : estimation de coefficients incohérents
- → Besoin de sélectionner les variables avant d'effectuer la régression PLS

Sparse Partial Least Square (sPLS)



- Sélection des variables simultanément à la réduction dimensionnelle (Chun and Keleş 2010)
- Application d'une pénalité sur les poids des Xj dans les composantes latentes

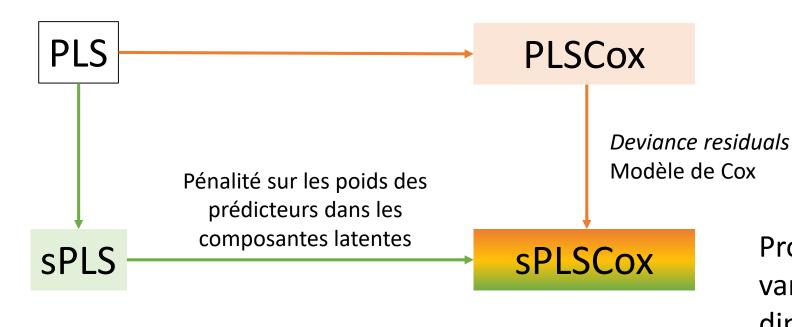
$$t = a_1 X_1 + a_2 X_2 + ...$$

PLS pour analyse de données de survie (PLSCox)



- PLS adaptée aux données censurées
- Utilisation du modèle de Cox pour dériver les composantes latentes (Bastien and Tenenhaus 2001)
- Méthode basée sur les « deviance residuals » (= mesure l'excès de risque de survenue de l'évènement) (Bastien 2008)

sPLS pour analyse de données de survie (sPLSCox)



La valeur optimale du seuil de pénalité **eta** et le nombre de composantes latentes **ncomp** obtenue par validation croisée

Procédure de sélection de variables et de réduction dimensionnelle adaptée pour l'analyse de données de survie (Bastien et al. 2014; Bertrand and Maumy-Bertrand 2021)

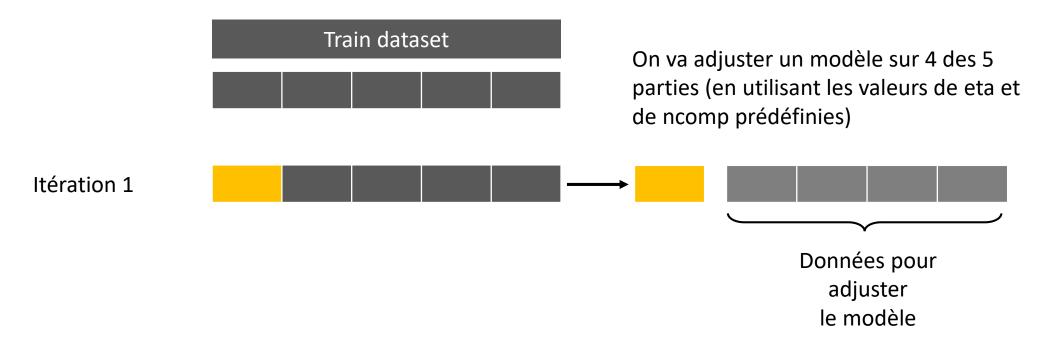
Fixer une valeur de **eta** et une valeur de **ncomp** Par exemple : eta = 0.5 et ncomp = 2



K = 5:

diviser l'ensemble de données en 5 parties égales et indépendantes ("folds")

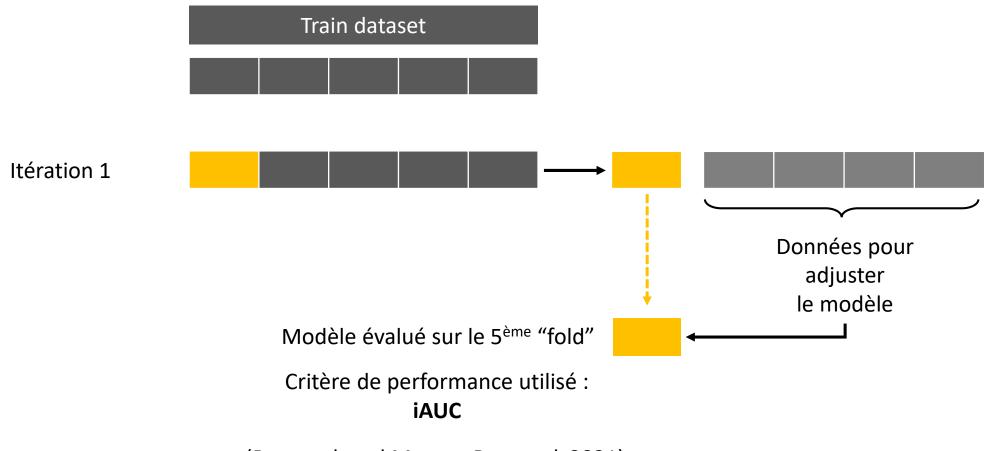
Fixer une valeur de **eta** et une valeur de **ncomp** Par exemple : eta = 0.5 et ncomp = 2



Cross-validation procedure to select hyperparameters values

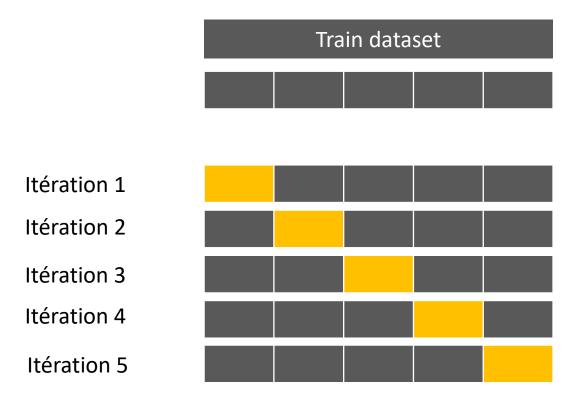
Fixer une valeur de **eta** et une valeur de **ncomp**

Par exemple : eta = 0.5 et ncomp = 2

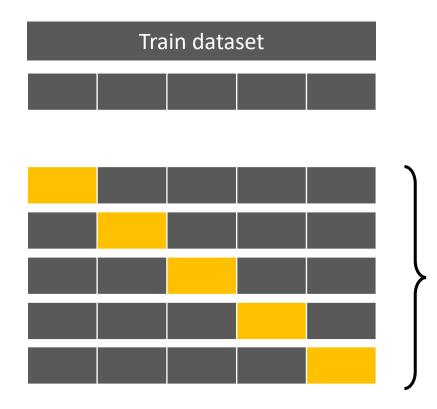


(Bertrand and Maumy-Bertrand 2021)

Fixer une valeur de **eta** et une valeur de **ncomp** Par exemple : eta = 0.5 et ncomp = 2

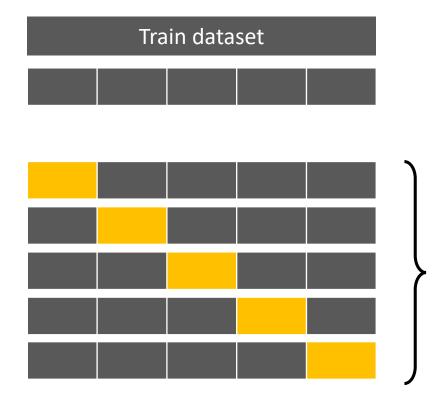


On répète la procédure à chaque itération, en changeant la part des données utilisées pour l'évaluation du modèle



Répéter l'opération pour toutes les combinaisons de eta* ncomp possibles

| | eta=0.1 | eta=0.15 | ••• | eta=0.90 | eta=0.95 |
|-----------|---------|----------|-----|----------|----------|
| Ncomp = 0 | | | | | |
| Ncomp = 1 | | | | | |
| Ncomp = 2 | | | | | |
| Ncomp = 3 | | | | | |
| Ncomp = 4 | | | | | |
| Ncomp = 5 | | | | | |



Répéter l'opération pour toutes les combinaisons de eta* ncomp possibles

| | eta=0.1 | eta=0.15 | eta=0. | .90 | eta=0.95 |
|-----------|---------|----------|------------|-----|----------|
| Ncomp = 0 | | | | | |
| Ncomp = 1 | | | | | |
| Ncomp = 2 | | | | | |
| Ncomp = 3 | | | | | |
| Ncomp = 4 | | | | | |
| Ncomp = 5 | | | | | |

Combinaison avec la performance la plus élevée Les valeurs sélectionnées seront utilisées pour ajuster le modèle sPLSCox

17 janvier 2023 14

Procédures

- Préparation des données
- Procédure de validation croisée pour choisir la valeur des hyperparamètres du modèle sPLSCox
- Ajustement du modèle sPLSCox et calcul des composantes latentes
- Utilisation des composantes latentes dans un modèle de Cox

Application dans R

 Utilisation du package plsRCox pour calculer les composantes latentes et adjuster le modèle

Plus de details sur plsRcox

plsRcox, Cox-Models in a High Dimensional Setting in R

.

Frédéric Bertrand and Myriam Maumy-Bertrand

The goal of plsRcox is provide Cox models in a high dimensional setting in R.

plsRcox implements partial least squares Regression and various regular, sparse or kernel, techniques for fitting Cox models in high dimensional settings https://doi.org/10.1093/bioinformatics/btu660, Bastien, P., Bertrand, F., Meyer N., Maumy-Bertrand, M. (2015), Deviance residuals-based sparse PLS and sparse kernel PLS regression for censored data, Bioinformatics, 31(3):397-404. Cross validation criteria were studied in <arXiv:1810.02962>, Bertrand, F., Bastien, Ph. and Maumy-Bertrand, M. (2018), Cross validating extensions of kernel, sparse or regular partial least squares regression models to censored data.

The package was presented at the User2014! conference. Frédéric Bertrand, Philippe Bastien, Nicolas Meyer and Myriam Bertrand (2014). "plsRcox, Cox-Models in a high dimensional setting in R", *book of abstracts*, User2014!, Los Angeles, page 177, http://user2014.r-project.org/abstracts/posters/177 Bertrand.pdf.

The plsRcox package contains an original allelotyping dataset from "Allelotyping identification of genomic alterations in rectal chromosomally unstable tumors without preoperative treatment", Benoît Romain, Agnès Neuville, Nicolas Meyer, Cécile Brigand, Serge Rohr, Anne Schneider, Marie-Pierre Gaub and Dominique Guenot (2010), *BMC Cancer*, **10**:561, https://doi.org/10.1186 /1471-2407-10-561.

Support for parallel computation and GPU is being developped.

The package provides several modelling techniques related to penalized Cox models or extensions of partial least squares to Cox models. The first two were new algorithms.

https://fbertran.github.io/plsRcox/

Links

plsRcox

View on CRAN

Browse source code

Report a bug

License

GPL-3

Citation

Citing plsRcox

Developers

Frederic Bertrand

Maintainer, author (D)

Myriam Maumy-Bertrand

Author (iii)

Dev status

lifecycle stable

repo status Active

R-CMD-check

codecov unknown

CRAN 1.7.7

downloads 437/month



DOI 10.5281/zenodo.4625698

Plus de details sur plsRcox

- coxspIsDR and cv.coxspIsDR (Philippe Bastien, Frederic Bertrand, Nicolas Meyer, and Myriam Maumy-Bertrand (2015), "Deviance residuals-based sparse PLS and sparse kernel PLS regression for censored data", *Bioinformatics*, **31**(3):397-404, https://doi.org/10.1093/bioinformatics/btu660),
- coxDKsplsDR and cv.coxDKsplsDR (Philippe Bastien, Frederic Bertrand, Nicolas Meyer, and Myriam Maumy-Bertrand (2015),
 "Deviance residuals-based sparse PLS and sparse kernel PLS regression for censored data", *Bioinformatics*, 31(3):397-404,
 https://doi.org/10.1093/bioinformatics/btu660),
- coxDKpIsDR and cv.coxDKpIsDR (Philippe Bastien (2008), "Deviance residuals based PLS regression for censored data in high dimensional setting", Chemometrics and Intelligent Laboratory Systems, 91:78–86, https://doi.org/10.1016 /j.chemolab.2007.09.009),
- coxpls and cv.coxpls (Nguyen, D.V., Rocke, D.M. (2002), "Partial least squares proportional hazard regression for application to DNA microarray survival data", *Bioinformatics*, **18**(12):1625–1632),
- coxplsDR and cv.coxplsDR (Philippe Bastien (2008), "Deviance residuals based PLS regression for censored data in high dimensional setting", Chemometrics and Intelligent Laboratory Systems, 91:78–86, https://doi.org/10.1016 /j.chemolab.2007.09.009),
- DKplsRcox,
- IarsDR and cv.larsDR (Segal, M.R. (2006), "Microarray Gene Expression Data with Linked Survival Phenotypes: Diffuse large-B-Cell Lymphoma Revisited", Biostatistics, 7:268-285, https://doi.org/10.1093/biostatistics/kxj006),
- plsRcox and cv.plsRcox (Philippe Bastien, Vincenzo Esposito Vinzi, and Michel Tenenhaus (2005), "PLS generalised linear regression", Computational Statistics & Data Analysis, 48(1):17–46, https://doi.org/10.1016/j.csda.2004.02.005),
- autopisRcox and cv.autopisRcox (Philippe Bastien, Vincenzo Esposito Vinzi, and Michel Tenenhaus (2005), "PLS generalised linear regression", Computational Statistics & Data Analysis, 48(1):17–46, https://doi.org/10.1016/j.csda.2004.02.005),

Giuthub du projet

Plus d'informations sur l'ensemble des analyses effectuées pour l'article Packages utilisés Workflow Scripts Identification of physical activity and sedentary behaviour dimensions that predict mortality risk in older adults: development of a machine learning model in the Whitehall II accelerometer sub-study and external validation in the CoLaus study

This repository contains scripts supporting a project aiming to identify accelerometer-derived dimensions of movement behaviours that predict mortality risk in older populations.

All analyses were undertaken using R version 4.1.2 (http://www.r-project.org), analyses required the specific packages:

- GGIR for accelerometer data processing (version 2.3-3, https://cran.rproject.org/web/packages/GGIR/vignettes/GGIR.html)
- plsRcox for sparse Partial Least Square regression (version 1.7.6, https://cran.rproject.org/web/packages/plsRcox/index.html)
- Epi (version 2.47, https://cran.r-project.org/web/packages/Epi/index.html), aod (version 1.3.2, https://cran.r-project.org/web/packages/aod/index.html), and rms (version 6.3-0, https://cran.r-project.org/web/packages/rms/index.html) for examine the association bewtween movement behaviour compopsite score and mortality
- timeROC for time-Dependent ROC Curve(version 0.4, https://cran.rproject.org/web/packages/timeROC/index.html)
- boot for performing bootstrap analyses (version 1.3-28, https://cran.rproject.org/web/packages/boot/index.html)
- coxed for computing 95% bias-corrected and accelerated confidence intervals for bootstrapped estimates (version 0.3.3, https://cran.r-project.org/web/packages/coxed/index.html)

Lien: https://github.com/MathildeChen/PA-SB-dimensions-mortality-Whitehall

DOI: https://zenodo.org/badge/latestdoi/531462028

Références

- Bastien, Philippe. 2008. 'Deviance residuals based PLS regression for censored data in high dimensional setting', Chemometrics and Intelligent Laboratory Systems, 91: 78-86.
- Bastien, Philippe, Frédéric Bertrand, Nicolas Meyer, and Myriam Maumy-Bertrand. 2014. 'Deviance residuals-based sparse PLS and sparse kernel PLS regression for censored data', *Bioinformatics*, 31: 397-404.
- Bastien, Philippe, and M. Tenenhaus. 2001. "PLS generalized linear regression. Application to the analysis of life time data." In *Proceedings of the PLS'01 International Symposium , Anacapri (Italy)*, 131-40. X, France.
- Bertrand, Frédéric, and Myriam Maumy-Bertrand 2021. 'Fitting and Cross-Validating Cox Models to Censored Big Data With Missing Values Using Extensions of Partial Least Squares Regression Models', Frontiers in Big Data, 4.
- Chun, Hyonho, and Sündüz Keleş. 2010. 'Sparse partial least squares regression for simultaneous dimension reduction and variable selection', *Journal of the Royal Statistical Society: Series B (Statistical Methodology)*, 72: 3-25.
- Tenenhaus, M. 1999. 'L'approche PLS', Revue de Statistique Appliquée, 47: 5-40.
- Wold, Herman. 1975. 'Soft Modelling by Latent Variables: The Non-Linear Iterative Partial Least Squares (NIPALS) Approach', *Journal of Applied Probability*, 12: 117-42.
- Wold, S., H. Martens, and H. Wold. 1983. 'The multivariate calibration problem in chemistry solved by the PLS method.' in, Matrix Pencils.