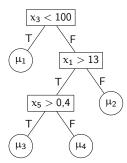
## BART: Bayesian Additive Regression Trees

Luis D. Suárez

Estimación Bayesiana, Noviembre 2024

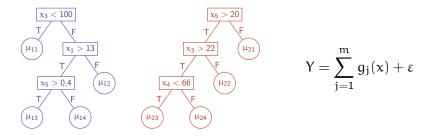
#### Modelo de Árbol



- Soluciones algorítmicas "greedy".
- Requiere prunning.
- Ensembles o boosting para mejorar performance.

$$\begin{split} y = & \mu_1 I_{\{x_3 < 100\}} + \mu_2 I_{\{x_3 \geqslant 100\}} I_{\{x_1 \leqslant 13\}} \\ & + \mu_3 I_{\{x_3 \geqslant 100\}} I_{\{x_1 > 13\}} I_{\{x_5 > 0,4\}} \\ & + \mu_4 I_{\{x_3 \geqslant 100\}} I_{\{x_1 > 13\}} I_{\{x_5 \leqslant 0,4\}} + \epsilon \end{split}$$

#### Suma de árboles



$$\begin{split} y = & \mu_{11} I_{\{x_3 < 100\}} + \mu_{12} I_{\{x_3 \geqslant 100\}} I_{\{x_1 \leqslant 13\}} + \mu_{13} I_{\{x_3 \geqslant 100\}} I_{\{x_1 > 13\}} I_{\{x_5 > 0, 4\}} \\ & + \mu_{14} I_{\{x_3 \geqslant 100\}} I_{\{x_1 > 13\}} I_{\{x_5 \leqslant 0, 4\}} \\ & + \mu_{21} I_{\{x_5 \leqslant 20\}} + \mu_{22} I_{\{x_5 > 20\}} I_{\{x_3 \leqslant 22\}} + \mu_{23} I_{\{x_5 > 20\}} I_{\{x_3 > 22\}} I_{\{x_4 \leqslant 66\}} \\ & + \mu_{24} I_{\{x_5 > 20\}} I_{\{x_3 > 22\}} I_{\{x_4 \geqslant 66\}} + \epsilon \end{split}$$

#### BART: un modelo bayesiano de suma de árboles

Modelo de árboles aditivos:

$$Y = \sum_{j=1}^m g(x; \mathcal{T}_j, \mathcal{M}_j) + \epsilon, \qquad \epsilon \sim \mathcal{N}(0, \sigma^2).$$

Prior:

$$p\Big((\mathfrak{T}_1,\mathfrak{M}_1),\ldots,(\mathfrak{T}_m,\mathfrak{M}_m),\sigma\Big)$$

Se propone utilizar un priores bajo el supuesto de independencia de cada  $(\mathfrak{T}_{\mathfrak{j}}, \mathfrak{M}_{\mathfrak{j}})$  entre sí y con respecto a  $\sigma$ . Es decir que

$$Prior = \Bigg[\prod_{j} p(\mathcal{M}_{j} \mid \mathcal{T}_{j},) p(\mathcal{T}_{j})\Bigg] p(\sigma), \quad con \; p(\mathcal{M}_{j} \mid \mathcal{T}_{j},) = \prod_{i}^{b_{j}} p(\mu_{ij} \mid \mathcal{T}_{j})$$

- $T_j$  está especificado por tres aspectos:
  - La probabilidad de que un nodo a profundidad d sea no-terminal.
  - La distribución de las variables de división.
  - La distribución de los valores de división.

- $\bullet$   $T_j$  está especificado por tres aspectos:
  - La probabilidad de que un nodo a profundidad d sea no-terminal.
  - La distribución de las variables de división.
  - La distribución de los valores de división.
- $p(\mu_{ij} \mid \Upsilon_j)$ Se puede utilizar un prior conjugado Normal. Si se reescala el target, e.g. (-05, 05), se puede simplificar a

$$\mu_{ij} \sim \mathcal{N}(0, \sigma_{\mu}^2)$$

- ullet  $\mathcal{T}_{j}$  está especificado por tres aspectos:
  - La probabilidad de que un nodo a profundidad d sea no-terminal.
  - La distribución de las variables de división.
  - La distribución de los valores de división.
- p(μ<sub>ij</sub> | T<sub>j</sub>)
   Se puede utilizar un prior conjugado Normal.
   Si se reescala el target, e.g. (-05, 05), se puede simplificar a

$$\mu_{ij} \sim \mathcal{N}(0, \sigma_{\mu}^2)$$

•  $\sigma$  Un prior conjugado Gamma inversa (típicamente  $\chi^2$  inversa).

$$\sigma \sim \nu \lambda / \chi_{\nu}^2$$

- $\bullet$   $\ensuremath{\mathcal{T}}_j$  está especificado por tres aspectos:
  - La probabilidad de que un nodo a profundidad d sea no-terminal.
  - La distribución de las variables de división.
  - La distribución de los valores de división.
- $p(\mu_{ij} \mid \mathcal{T}_j)$ Se puede utilizar un prior conjugado Normal. Si se reescala el target, e.g. (-05, 05), se puede simplificar a

$$\mu_{ij} \sim \mathcal{N}(0, \sigma_{\mu}^2)$$

•  $\sigma$  Un prior conjugado Gamma inversa (típicamente  $\chi^2$  inversa).

$$\sigma \sim \nu \lambda/\chi_{\nu}^2$$

m.

## Muestreo del posterior

#### Bayesian Backfitting MCMC

 $\blacktriangleright \ \, \text{Objetivo: extraer} \,\, m \,\, \text{muestras de} \,\, (\mathfrak{T}_{\mathfrak{j}}, \mathfrak{M}_{\mathfrak{j}}) \,\, | \,\, \mathfrak{T}_{(\mathfrak{j})}, \mathfrak{M}_{(\mathfrak{j})}, \sigma, y$ 

$$R_j \equiv y - \sum_{k \neq j} g(x; T_k, M_k)$$

El problema se reduce a obtener un árbol por vez usando  $R_{\rm j}$  en lugar de y.

## Muestreo del posterior

#### Bayesian Backfitting MCMC

 $\blacktriangleright \ \, \text{Objetivo: extraer} \,\, m \,\, \text{muestras de} \,\, (\mathfrak{T}_{j}, \mathfrak{M}_{j}) \,\, | \,\, \mathfrak{T}_{(j)}, \mathfrak{M}_{(j)}, \sigma, y$ 

$$R_j \equiv y - \sum_{k \neq j} g(x; T_k, M_k)$$

El problema se reduce a obtener un árbol por vez usando  $R_{\rm j}$  en lugar de y.

Generar un nuevo árbol  $\mathfrak{T}_j^*$  a partir de un set de reglas:

Grow Prune Swap Change

## Muestreo del posterior

#### Bayesian Backfitting MCMC

 $\blacktriangleright \ \, \text{Objetivo: extraer} \,\, m \,\, \text{muestras de} \,\, (\mathfrak{T}_{\mathfrak{j}}, \mathfrak{M}_{\mathfrak{j}}) \mid \mathfrak{T}_{(\mathfrak{j})}, \mathfrak{M}_{(\mathfrak{j})}, \sigma, y$ 

$$R_j \equiv y - \sum_{k \neq j} g(x; T_k, M_k)$$

El problema se reduce a obtener un árbol por vez usando  $R_{\rm j}$  en lugar de y.

- Generar un nuevo árbol  $\mathfrak{T}_j^*$  a partir de un set de reglas: Grow Prune Swap Change
  - lacktriangle Metropolis-Hastings para seleccionar entre  $\mathfrak{T}_j$  y  $\mathfrak{T}_j^*$

#### Conclusión

- BART puede capturar interacciones complejas entre variables predictivas.
- Tiene pocos hiperparámetros que pueden fácilmente determinarse con valores default.
- Puede ser extendido fácilmente (e.g. para clasificación).
- El outcome es un posterior de sumas de árboles:
  - Predicciones con intervalos de credibilidad.
  - Produce medidas directas para Feature Selection.

# ¡Muchas Gracias!

... preguntas?