

Gene: NF1 - Sequence: NG_009018.1
 Transcript: NM_001042492.2 - Protein: NP_001035957.1
 Date : March 2, 2015

1st line: Base numbering. Full stops for intronic +/- 5, 10, 15...
 2nd line: Base sequence. lower case Introns, upper case Exons
 3rd line: Amino acid sequence. Printed on FIRST base of codon
 4th line: Amino acid numbering. Numbered on 1st and increments of 10

Exon 1 | Start: 4951 | End: 5393 | Length: 442

```

.      .      .      .      .      .      .      .      .      .      .      .
cttccaactccgggagcaatccaaacccggaggccggcgggggaggggacagctgtaggg

.      .      .      .      .      .      .      .      .      .      .      .
ggcgggtggggatgggagtggtgctcccgggtcagctctggcactcgccagctgagccca

.      .      .      .      .      .      .      .      .      .      .      .
gcgccagtctaggtgagccccacggcggtgagggacgctcgccagacggcccagaggagt

.      .      .      .      .      .      .      .      .      .      .      .
tagatgacgtcacctccaggaggactcgctttttcattaatgaaaccggcgccggcggggc

.      .      .      .      .      .      .      .      .      .      .      .
gcatgcgcggcaggccgccttccctctcgttccccctccccctttcccagccgcgctctc

      | -379      | -369      | -359      | -349      | -339      | -329
AATCTCTAGCTCGCTCGCTCCCTCTCCCCGGGCCGTGGAAAGGATCCCACTTCCGGTG

      | -319      | -309      | -299      | -289      | -279      | -269
GGGTGTCATGGCGGCTCTCGGACTGTGATGGCTGTGGGGAGACGGCGCTAGTGGGGAGA

      | -259      | -249      | -239      | -229      | -219      | -209
GCGACCAAGAGGCCCCCTCCCCCTCCCCGGGTCCCCTTCCCCTATCCCCCTCCCCCAGCC

      | -199      | -189      | -179      | -169      | -159      | -149
TCCTTGCCAACGCCCCCTTTCCCTCTCCCCCTCCCGCTCGGCGCTGACCCCCCATCCCCA

      | -139      | -129      | -119      | -109      | -99      | -89
CCCCGTGGGAACACTGGGAGCCTGCACTCCACAGACCCTCTCCTTGCCTCTTCCCTCAC

      | -79      | -69      | -59      | -49      | -39      | -29
CTCAGCTCCGCTCCCCGCCCTCTCCCGGCCAGGGCGCCGGCCACCCTTCCCTCCGC

```

```

      | -19      | -9      | 1      | 11      | 21      | 31
CGCCCCCGGCCGCGGGGAGGACATGGCCGCGCACAGGCCGGTGGGAATGGGTCCAGGCCG
      M  A  A  H  R  P  V  E  W  V  Q  A  V
      | 1                                | 11

      | 41      | 51
TGGTCAGCCGCTTCGACGAGCAGgtaaccggcccgtggcgggcgggaggtgggagcggag
  V  S  R  F  D  E  Q

. . . . .
tgggggtggggacagagtaggtgaggggaggtaggagcggccgcctccccgcggctgcc

. . . . .
tcaggctctggaggaaaggaaggggaagggaagagaagggaaggggggataagtgggggtg

. . . . .
gccaaggcgggaggtgaggggtaggaggggacagctgggagcttgggcaccctttccctc

. . . . .
ctaagtcggggggtggggccttgtccctgaccagcctccgaccctccatcccctttatcc

. . . . .
cagcccttccgcttggaatggg

```

Exon 2 | Start: 66007 | End: 66150 | Length: 143

```
. . . . .
ctattttgtagatagagatttatgacttccagaaagaaagctgcaaaaatggaagtttcc

. . . . .
aaagaatttaagatttgctataataaatgctatcatatattggtgtttgagatgcaaatg

. . . . .
tacatatctgtgtatcatatattggaggttgattgaaaatcggagtttgagatgcaagta

. . . . .
taggtatctgtggttgatgcagttttcctaaaacgtcatgattttcaatggcaagtaagt

. . . . .
tatttatggtcgtttttaaggataagctgttaacgtgttttttttttcttttttttcag

|61      |71      |81      |91      |101     |111
CTTCCAATAAAAAACAGGACAGCAGAACACACATACCAAAGTCAGTACTGAGCACAAACAG
L P I K T G Q Q N T H T K V S T E H N K
|21                               |31

|121     |131     |141     |151     |161     |171
GAATGTCTAATCAATATTTCCAAATACAAGTTTTCTTTGGTTATAAGCGGCCTCACTACT
E C L I N I S K Y K F S L V I S G L T T
|41                               |51

|181     |191     |201     . . . . .
ATTTTAAAGAAATGTTAACAATATGgtgagatatttgggttactgtgttttggggaatttgc
I L K N V N N M
|61

. . . . .
tttcttttctttttgattaaaaagtttagaacagcatattttgaagtatggaaagtgatt

. . . . .
ttctgtggactttggatataaccattaatcttattttgtttacgagcacagataaccttt

. . . . .
taattttattttgtcaaatttttaatcagctgggttttagattcagtgagcacaagtaac

. . . . .
tgtaactttcattttaatttattatttcccttagaaacatctcctatcttttgtagccat

. . . . .
gtctccttttccagtatgtttctt
```

Exon 3 | Start: 69034 | End: 69117 | Length: 83

```
. . . . .
tgg tac aggt ct at at gt gt gt ct aa at ct ta ca ta t t t t t t aa ag ca t ga ag ca aa ac ag

. . . . .
cat c t t t t t act gt ta ca ag gt ta at gg ca g act ct aa ta aa at gcc at t t t ct g t t t gc ct t

. . . . .
ag act t t t ag t t t t t at g ag g at t ag g at a aa at ca ga aa ta at a t t t t a ag ta ta g ta t

. . . . .
aat ct g g g ag g ta aa at gg a ag act at t gt t gat c t t t t ag t c t t t c act t t t t c ag at gt

. . . . .
gt g t t g at t g g ta g ca ga aa gt ga aa ct aa ct t t t at g t t ct ga at at c t t t t t ct g t t ag

      |211      |221      |231      |241      |251      |261
AGA ATATTTGGAGAAGCTGCTGAAAAAAATTTATATCTCTCTCAGTTGATTATATTGGAT
R  I  F  G  E  A  A  E  K  N  L  Y  L  S  Q  L  I  I  L  D
      |71                      |81

      |271      |281
ACACTGGAAAAATGTCTTGCTGGGgtaagtaaattgatcttaagtaggcaggcctttgtga
T  L  E  K  C  L  A  G
      |91

. . . . .
att tg at c tt g a ga at ga t ct ta t gt c c ca a ag ta ca ga t gt g ga c ca ag ag g ac ag t cc

. . . . .
ta t g g act t t t t gt ct g ag ac at a ta aa at ag a g t t t t g t ta at a ta g ct g ac ct g g t g ac

. . . . .
ag a ca at t t t t t cat g a ga aa at t t t t t ct ca t c t t t t g ta aa at ta ac ag at at ta ag t t t a

. . . . .
ct t a ta aa at gt ta t at g t t t c ag cc ac g ta t ct g t ct ct c ag g t t t t t ag g aa aa at t t t t

. . . . .
at ga ag ag at c act at t t t g at t t a
```

Exon 4 | Start: 73210 | End: 73400 | Length: 190

.
cagggaagggctcgtttggtgaacaagagagcaagcaggaatgggaggactggttaaggat

.
ggcaggggggattgaactttaattgtgattatggggtcagagatggaaccatcctctttat

.
taaactatctatagacagatgtagcaaatatgatgaaacgttaacagttgttaaactag

.
gtgggtgtgtatgtaagggtgttcattatTTTTgttctgtgtgtgtgtttgaaaattttcat

.
aatagaaaatgtttacaggtaaaaattaaagtttagaataatgtgattatttctatttttag

 |291 |301 |311 |321 |331 |341
CAACCAAAGGACACAATGAGATTAGATGAAACGATGCTGGTCAAACAGTTGCTGCCAGAA
Q P K D T M R L D E T M L V K Q L L P E
 |101 |111

 |351 |361 |371 |381 |391 |401
ATCTGCCATTTTCTTCACACCTGTCGTGAAGGAAACCAGCATGCAGCTGAACTTCGGAAT
I C H F L H T C R E G N Q H A A E L R N
 |121 |131

 |411 |421 |431 |441 |451 |461
TCTGCCCTCTGGGGTTTTATTTTCTCTCAGCTGCAACAACCTCAATGCAGTCTTTAGTCGC
S A S G V L F S L S C N N F N A V F S R
 |141 |151

 |471
ATTCTIACCAGgttagtgtgtaaatccacatgggactactgaagtaatatgaatattaga
I S T R

.
agttttgtttttgtctacataaaaaataaaaagttaatggaaatgaggttttttgtttt

.
tgagacaagttcttttgcccctcacagcagctttgacctccaggcttaggtgatcctcc

.
tacctcagcctccagagaaatgagtttgtctgggcttgcgtagaaattttatgcattaat

· · · · ·
atctttgacattttaattgcgtaatatgtgatattgatatgtgcaattaaataagagca

· · ·
ctggttatgaat

Exon 5 | Start: 79915 | End: 80021 | Length: 106

```
. . . . .
gctgaagtacagtgggtgtgatcacagctcattgcagcttcaaacttctaggctcaagaga

. . . . .
tcctcctcccttagcctcctgagtagctgggcctatagggtgtgtgccatcatgcccagct

. . . . .
aatttttgtatttttttagagatgatgtcttgctatggtgccaggctggtcttgaact

. . . . .
cctggcctcaagtggcctcctgccttggcctcctgaagtgctgggattacagggtgtgag

. . . . .
ataccacacctgtcccctaataacttaatttgataagttaatttttggttttacttttag

|481      |491      |501      |511      |521      |531
GTTACAGGAATTAAGTGTTCAGAAAGACAATGTTGATGTTTCATGATATAGAATTGTT
L Q E L T V C S E D N V D V H D I E L L
|161                                |171

|541      |551      |561      |571      |581      . .
ACAGTATATCAATGTGGATTGTGCAAAATTAAAACGACTCCTGAAGGgtaagttaaag
Q Y I N V D C A K L K R L L K E
|181                                |191

. . . . .
tataatatatctgaaaaaatcactgggtcaaaaactagtatcatgaatgtactaattat

. . . . .
attaattgtgctgaactagaacaccaaactggattttataatgacatttccttgtgaaat

. . . . .
aaccagtaatacaaatgggtaattattttcaatctttgaaaataatgcagtagagaaaa

. . . . .
tgagcattttaaatcttggcaatggaaagttttgcttaactacaattttgttttcaata

. . . . .
cagagaatgcaaggggtgctattatttcatttttctggaatttgatct
```

Exon 6 | Start: 91446 | End: 91513 | Length: 67
BE AWARE: Flanking intron is shared with the following exon

```
. . . . .
gctcatggataggaggaaccaatcctgtatgtgttttatactttttttgaaaaagca
. . . . .
agttattaaaagaaaaagctcacaatcattgatgtccaaggcatatttgctgtttatgga
. . . . .
atctttctttcctagcagacaactatcgagttttgggtttatgttaggtgtctttacctt
. . . . .
tcattgcttacagataaatattggagcaaaagtaatacgtaaatggaaagtattttgctc
. . . . .
tgagttgtattttgtgttaacttattctagagttaatttttaaaaattgtgtttttccag
      |591      |601      |611      |621      |631      |641
AAACAGCATTTAAATTTAAAGCCCTAAAGAAGGTTGCGCAGTTAGCAGTTATAAATAGCC
  T  A  F  K  F  K  A  L  K  K  V  A  Q  L  A  V  I  N  S  L
      |201                        |211

      |651
TGGAAAAGgtaagttacaacctctctggtattaaaattttgtttttgatgtaaaatttgc
  E   K

. . . . .
tgttgttagcatcctgaatcaaaaagtatatgacttgagtgatagtttcacattcattt
```


Exon 7 | Start: 91734 | End: 91809 | Length: 75
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the previous exon

```

. . . . .
tcaggaagaatacattgtaatattattatgaaggaagtagaagtttgtagacattttatt

. . . . . | 661
tactgtattacaaaaaatcactgtaaagacatgtggttctttattttatagGCATTTTGGA
                                     A F W N
                                     | 221

      | 671      | 681      | 691      | 701      | 711      | 721
ACTGGGTAGAAAAATTATCCAGATGAATTTACAAAACGTACCAGATCCCACAGACTGATA
  W V E N Y P D E F T K L Y Q I P Q T D M
                        | 231                        | 241

TGGCTGgtaagatacgattgattttttttttttttgtcttttaaagcctacttgtag
  A E

. . . . .
acataaaaacctatcatcgttttccaagttatttttgttataaagggtgcttttacatctt

. . . . .
ctattgtcaactgggtgtcaaataaggaaatactgtttttctcttacatttctaaattaggc

. . . . .
ccaaccctcttcctttccttgagcaaacaagtagtttgaaatgaaggtcagatcttta

. . . . .
gagctgtgataggatggggtgttggctctttgtttagagaagcatgtgctctgaagct

. .
ttattt

```

Exon 8 | Start: 92532 | End: 92689 | Length: 157

```
. . . . .
ctttgttgcttgggtacatcacactttgcataaggcccttcacagtgagactgaatacat

. . . . .
gatcatccatttctaaaatgtgagcttttccaggatagatcaagatagctcttctaacaca

. . . . .
tagacagtattacattgcttgtctacttaccagaatgcatttgtgtagttgcttaaatga

. . . . .
agttccatgtttatcttttaaaaatgttgcccttgggtttttacatagtgtcagctttta

. . . . .
ctttaatgccagggattttgttcctatctaataatgtcatttaatatatttttcatgcag

|731      |741      |751      |761      |771      |781
AATGTGCAGAAAAGCTATTTGACTTGGTGGATGGTTTTGCTGAAAGCACCAAACGTAAAG
  C  A  E  K  L  F    D  L  V  D  G  F  A  E  S  T  K  R  K  A
                    |251                                |261

|791      |801      |811      |821      |831      |841
CAGCAGTTTGGCCACTACAAATCATTCTCCTTATCTTGTGTCCAGAAATAATCCAGGATA
  A  V  W  P  L  Q  I  I  L  L  I  L  C  P  E  I  I  Q  D  I
                    |271                                |281

|851      |861      |871      |881      . . . . .
TATCCAAAGACGTGGTTGATGAAAACAACATGAATAAGgtaaggagggcaaaattatttc
  S  K  D  V  V  D  E  N  N  M  N  K
                    |291

. . . . .
cattatatctagatgtgaagcagtttattttactcaaggtgtgtattacttttaggcttat

. . . . .
tatttaagcaaagtatttcaggyaaccatttaaatgatcatttttaggtttctttgtttga

. . . . .
tggaacttagaagagacatactcacataattttatttggcagagggaaaataataccag

. . . . .
gcaatgaacaaagattttaaataatcccttagtttcattcttttgtctgagaagactaaa

. . . . .
cgatacctctgttattatttaaacgtagtttctctaata
```

Exon 9 | Start: 110446 | End: 110619 | Length: 173

```
. . . . .
gaagacaccatcttgggaaaaaaaaaaaaagaagttcagaaaacagcttgtttgggaag

. . . . .
gactgttttttgatttcctttaataattcaataaagaaaatagaaaaaggatttttttta

. . . . .
aatttgagaaacatttaaatgatgaccactacttaaaattatgaaattgaaaaccacaaat

. . . . .
ataaattatgcattctttatagtatgagtttttagaggctgttaatttgctataatattag

. . . . .
ctacatctggaatagaagaaacttcatatattatcttatcgctatatttgaattctgtag

|891      |901      |911      |921      |931      |941
AAGTTATTTCTGGACAGTCTACGAAAAGCTCTTGCTGGCCATGGAGGAAGTAGGCAGCTG
K  L  F  L  D  S  L  R  K  A  L  A  G  H  G  G  S  R  Q  L
                |301                        |311

|951      |961      |971      |981      |991      |1001
ACAGAAAGTGCTGCAATTGCCTGTGTCAAAGTGTGTAAAGCAAGTACTTACATCAATTGG
T  E  S  A  A  I  A  C  V  K  L  C  K  A  S  T  Y  I  N  W
                |321                        |331

|1011     |1021     |1031     |1041     |1051     |1061 .
GAAGATAACTCTGTCAATTTTCTACTTGTTTCAGTCCATGGTGGTTGATCTTAAGgtaaca
E  D  N  S  V  I  F  L  L  V  Q  S  M  V  V  D  L  K
                |341                        |351

. . . . .
tgcttattctttctctactacaaactttaagaaaattaaatgaattttctagcataagta

. . . . .
ttatgtcaaagataattgctaacattaaagttctgactcttcgttgataagttcatagga

. . . . .
cttgctttttgttggttactgtgttcacagcctaaatggactgagaatatgaagaaaacac

. . . . .
cattttcttaataagcataaatatacagacttgggtttaaaataatgtggcaattaggg

. . . . .
cctgaaatgaacctatatatggtataggaagaattgtatcagactgatgaacca
```

Exon 10 | Start: 111061 | End: 111183 | Length: 122
BE AWARE: Flanking intron is shared with the following exon

actgtgttcattcagcctaataatggactgagaatatgaagaaaacaccattttcttaataa

gcataaatatacagacttgggtttaaaataatgtggcaattagggcctgaaatgaaccta

tatatggtataggaagaattgtatcagactgatgaaccacagtatgggtgctttgtgctt

cttctggcagctggattttactgccatttgtgtgggtaaatgtgttgatgttattacatgt

tagtaaagaaatactgcatgggtatttaaaggcttttgtttctgttgggggtttttatag

AACCTGCTTTTTAATCCAAGTAAGCCATTCTCAAGAGGCAGTCAGCCTGCAGATGTGGAT
N L L F N P S K P F S R G S Q P A D V D

CTAATGATTGACTGCCTTGTTTCTTGCTTTCGTATAAGCCCTCACAAACCAACACTTT
L M I D C L V S C F R I S P H N N Q H F

|1131 |1141 |1151 |1161 |1171 |1181
|381 |391

AAAGgtgagagcattgggtttttatctaactataatttactgatgctgttatcctttataaac
K

.....
 aaaaagactatagagattaataggttcacttttatcggtatttctcactattatgtattg

•
atgttcg

Exon 11 | Start: 111435 | End: 111509 | Length: 74
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the previous exon

```

. . . . .
tttcaagaccttaaaaacttagtggttttttttaaaactttctatttgctgttcttttg

. . . . .
gcttcatttggtattactgagtatttttctcatagaaataatctgctttttttttctttt

. . . |1191 |1201 |1211 |1221 |1231
tctatagATCTGCCTGGCTCAGAATTCACCTTCTACATTTCACTATGTGCTGGTAAATTC
      I C L A Q N S P S T F H Y V L V N S
                |401 |411

|1241 |1251 . . . . .
ACTCCATCGAATCATCACCAATgtaagtccaaaagggtattgctaaattactaaaaaaatt
L H R I I T N

. . . . .
tttttctttcttttctttgcgtatttctttttaagaaatgcactcttggttttcaaaaag

. . . . .
gttctgaatttagatgtatgaaataggaaaatttctccatggtgattctatttgataatt

. . . . .
gataaatatttgatattttcatattaagtcttgaccgaaggaccatattaaggaagatg

. . . . .
gagttaataagatgctttggaaagattaaatctaaaacgttttattcagatcagaagccc

. . . . .
ttgagaaaaatgtcactgaaaa

```

Exon 12 | Start: 116264 | End: 116395 | Length: 131

```
. . . . .
ctgaagactttatTTTTTcaaattcactggcctaatacatcgagaaaagatgtctcacatgca

. . . . .
catgctcataaagtgggcaatttgtctcatgctcactattatgttttataataatatg

. . . . .
tatgagttagtgtttgaattaaagacgttgtttgaagactttggaaatcatgggtgtgtgt

. . . . .
ttgcatggctcttagaaaagttcccgacaaaaggataaaaacttaaaactacagtgataaaca

. . . . .
gagcatacaactcacgtaattttgtactttttcttcctattggctcttgtttttctctag

|1261      |1271      |1281      |1291      |1301      |1311
TCCGCATTGGATTGGTGGCCTAAGATTGATGCTGTGTATTGTCACCTCGGTTGAACTTCGA
S  A  L  D  W  W  P  K  I  D  A  V  Y  C  H  S  V  E  L  R
|421                                |431

|1321      |1331      |1341      |1351      |1361      |1371
AATATGTTTGGTGAAACACTTCATAAAGCAGTGCAAGGTTGTGGAGCACACCCAGCAATA
N  M  F  G  E  T  L  H  K  A  V  Q  G  C  G  A  H  P  A  I
|441                                |451

|1381      |1391      . . . . .
CGAATGGCACCGgtaagataaatcacgaattttgaatctcacctcctttctattgcattt
R  M  A  P
|461

. . . . .
tttttagtgtctttatcctattcctgctgctttggttattttagagaattgaatgggtcc

. . . . .
ttcatttcctctaaatgttgtggtatgttgtatctagaatattgttgaatactagattat

. . . . .
gtttgttttccactgtttccatgagttgaacttaacttttcttagataaaattttctcaca

. . . . .
aaacactgaaagtcttaatgaatgtcacctttttttctgtttttaagtttttttctc

. . . . .
cttaaaactttt
```

Exon 13 | Start: 124475 | End: 124609 | Length: 134

.
gttttttacatagatgttttacaacctgataactaagcttttagtattgtaatagattttc

.
attgttttattagattgataaaaaaaaaatataaatggtgcaaaaacgattttcattgttt

.
tgtaagcttaataataactgaccttatgcttactattgagtgtttctactaataaccacac

.
atttggtagtataaaaaatagcttttttcaaagggtttttaataataaatttcttttaaaa

.
ggttggtatagctattatcctgagtccttatgtctgataccatgtttttgttttgtttttag

 |1401 |1411 |1421 |1431 |1441 |1451
AGTCTTACATTTAAAGAAAAAGTAACAAGCCTTAAATTTAAAGAAAAACCTACAGACCTG
S L T F K E K V T S L K F K E K P T D L
 |471 |481

 |1461 |1471 |1481 |1491 |1501 |1511
GAGACAAGAAGCTATAAGTATCTTCTCTGTCCATGGTGAAACTAATTCATGCAGATCCA
E T R S Y K Y L L S M V K L I H A D P
 |491 |501

 |1521
AAGCTCTTGCTTTGTgtaagtatttttttatgaaatgtctcaaaattatcacactaagtt
K L L L C

.
aattgggttttagctgaaacgccaagaccttgaggataatttttagctcaagagcacttac

.
tgatcctttctgatcataacctgaaaactaagacgtctctaagaaaactaatgtataatga

.
atactaataataattagatcagattcttaattgcccttatcatttcctaactttctcttt

.
cttcttaatttccctatcattaaactaacatactttgatgagatctctgttctcatccta

.
ttactaagttatata

Exon 14 | Start: 129029 | End: 129142 | Length: 113

```
. . . . .
gggaccacaggcgcatgccaccacgcctggctaatttttatatttttagtagagatagaa

. . . . .
tttcaccatattggtcaggctggctctcaaactcctgacttcagggtgatccaccgccact

. . . . .
acctcccaaagtccctgggcttacaggcgtaaccaccggtccagcctagttctagaaca

. . . . .
ttgttatcaccctaaaagaaacttggtacccttagcagtcactgtctatttcttcctc

. . . . .
cttctaattctctctcgatttatattttttaattgaagtttccttttttccttgcatg

      |1531      |1541      |1551      |1561      |1571      |1581
AATCCAAGAAAACAGGGGCCCGAAACCCAAGGCAGTACAGCAGAATTAATTACAGGGCTC
N P R K Q G P E T Q G S T A E L I T G L
      |511                      |521

      |1591      |1601      |1611      |1621      |1631      |1641.
GTCCAACCTGGTCCCTCAGTCACACATGCCAGAGATTGCTCAGGAAGCAATGGAGGtaagg
V Q L V P Q S H M P E I A Q E A M E
      |531                      |541

. . . . .
ggaaaatgaattccatgttcttgaaggaaagattgtaactatgtacattcatgatgttcc

. . . . .
tttggtgtgtggtttctgtgagtaacaggtagatgtcatttctggaaatggtatgtttat

. . . . .
gtctatacattgttttataaaaactccatggagaaagaaggggttacttgctttgtatca

. . . . .
catagcaataacattgtacaaattctgatgcttaataaaaatagttcgagattttctaatt

. . . . .
gcagttgactttaaaatttttaaaaatattattattaaatattaaaaataactaa
```


Exon 15 | Start: 131874 | End: 131953 | Length: 79

.
tttgtttcttaaagcagtttttacagttatatattgttccgaattcatcatttagcttta

.
tatgtacatgccagtttagagtcagaatgatgggaataaaaatgatttcattctgtctgtat

.
tattccctagagggtttgtgttcaccagagtttctctctttttaccttttactatatattg

.
aaactacaaatgaaagagctcaatttcttagcatttataaaaataagtactccagtggtat

.
gtttaccaaaaatgtttgagtgagtccttctctttgtctttctcttttttaaaaaattcag

 |1651 |1661 |1671 |1681 |1691 |1701
GCTCTGCTGGTTCTTCATCAGTTAGATAGCATTGATTGTGGAATCCTGATGCTCCTGTA
A L L V L H Q L D S I D L W N P D A P V
 |551 |561

 |1711 |1721.
GAAACATTTTGGGAGATTAGgtatatgtacttttatttttttaaattcaacttttaaattt
E T F W E I S
 |571

.
tattttgtatttttgtcttgaaatattaactctgtagtacttagtacattgtaaaactta

.
cacttccaaagggttttatggttttgtattttatttgacttcaaattattagaatttcttg

.
ttttaactgtaagaaaagtatcacagcaatttagaaaaataaattttaagaatagtgctaa

.
attttgtcaccctaacataagtactggtgtttggtatattacttttttcagatttcaatg

.
tggttactactgtattttta

Exon 16 | Start: 133468 | End: 133591 | Length: 123

.
gtttattgtttcttcttatgtctactacaaggatgagatacatggatagaaacactggga

.
gtttaatgaaacatagggggcttatagataaatacttgcttttttctataacctgtaga

.
cttatttcctttgattataatgctattgacactttgataactgtttctctaaaaccttac

.
aagaaaaactaagcttctctaaacttgatttcattatgggagaatgccattcttatgtct

.
ggttatatctgcattaggttattgatgatgctagtaacaatgaactttatgttactgcag

 |1731 |1741 |1751 |1761 |1771 |1781
CTCACAAATGCTTTTTTACATCTGCAAGAAATTAAGTAGTCATCAAATGCTTAGTAGCAC
 S Q M L F Y I C K K L T S H Q M L S S T
 |581 |591

 |1791 |1801 |1811 |1821 |1831 |1841
AGAAATTCTCAAGTGGTTGCGGGAAATATTGATCTGCAGGAATAAATTTCTTCTTAAAAA
 E I L K W L R E I L I C R N K F L L K N
 |601 |611

.
TAAGGtaagcaaaatgacatatttaaaaaatggaagaatatttggaatggtaatggtgag
 K

.
agattactaaagtgttttatagccaaattaggttctatttcagcttctccttcctcccaa

.
tgttctcaaaggaatatgtatgcagaggacaatgactggcaaatcagcattttaaaaa

.
ttattctgaggctttggccttagaaccacactgttgatgaattctagttctagttgagtt

.
aaataggtctctatggggcaggcctaggaagtgggggctgctataaccagagtagctt

.
gagg

[illegible]

tagaatcagtttacatttctggaatctggaataggataatatctatttgatttgaaattg
aacagatggtagcattatggtggtccagataatctcatttctcatttggacaagatattt
tgggggttgaaaaattcctataatgattaaaggaaaaagctcttgtagattattgtatgc
ggagacagtttattgcattgtt
agattttatacataaaattacccaagttgcaaatatatgtcttccacccttgactctcag

GAAGTGGCCCTGTACATGTTTCTGTGGAACCCTGACACTGAAGCTGTTCTGGTTGCCATG

E V A L Y M F L W N P D T E A V L V A M

|2191 |2201 |2211 |2221 |2231 |2241
GTGCATAACCTCTTGCCCAACTATAACACATTCATGGAGTTTGCCTCTGTCAGCAATATG
V H N L L P N Y N T F M E F A S V S N M
|731 |741

catctgattttgagaatgtatttaaggtcactacttttgtaagtttacaggggaaattcaa

gtagcttacttgaaatccttttctgaacaaagtaagatgaaaataaaaagcatttgaat
aaattgtagtcttccactgagttgttaatatgctatacatTTTTAAAAaactggcagt
agatgttactatcagttatgattatgtaatttactctgcctaagttgtagatagtgaagt
tttacaaca

Exon 19 | Start: 137242 | End: 137315 | Length: 73
BE AWARE: Flanking intron is shared with the following exon

.
tggtactatcagttatgattatgtaatttactctgcctaagttgtagatagtgaaagtttt

.
acaaacattggcgtatgttttgagtaaattgtaggtgggaatagctattttattctgtgg

.
acattgtagagtccaagataagtacctttcctgtgaggttagtgaaaggaagtttttggc

.
tttatcatttgaagcatttgctctgctcttcctactccttttgggtggagcttatcaggt

.
tctccattggcaggcagggctctaagtgcagtaacttgatttgctggtgtatttgcttag

	2261	2271	2281	2291	2301	2311
	GAAGAGCAGCACTTCAGAAAAGAGTGATGGCACTGCTGAGGCGCATTGAGCATCCCACTG					
	R	A	A	L	Q	K
		R	V	M	A	L
				L	R	R
				I	E	H
				P	T	A
			761			771

|2321
CAGGAAACACTGAGgtatgcccttagcaacagaaacacccctcccaggcgcccaccctca
G N T E

.
atttgggaagcctcttggttacatatgtgtgatcaggaatagcttttgaagtaaataccaaga

.
tacgtgca

Exon 20 | Start: 137547 | End: 137630 | Length: 83
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the previous exon

.
 tattacaagtataatatctgagtatttaatatatacatcaagtttgaaacttggtctgtagct

 gattgatgttttagctctagactaagttgctttcaagtgataattgccttcatttttagGCT
 A

|2331 |2341 |2351 |2361 |2371 |2381
 TGGGAAGATACACATGCAAAATGGGAACAAGCAACAAAGCTAATCCTTAACCTATCCAAAA
 W E D T H A K W E Q A T K L I L N Y P K
 |781 |791

|2391 |2401
 GCCAAAATGGGAAGATGGCCAGgtaagtcgtgaaagttgacttttgtctgttaactgatct
 A K M E D G Q
 |801

.
 gctaaatatatgtacttcactttgataatctttcaagagtcgctcagtaaagtaaacata

 tagctgtgtgaagactgatatttagttgtggtttatctagacctgtactttgtaatgtgg

 tagctactagctatgtgtgactatttaacttaaattttaacataattaaaattaaataaa

 atttagttcctcaatcatatagtaaccacatcgcaagtagccacatatgacaat

 tacttactctattggacagca

Exon 21 | Start: 139049 | End: 139489 | Length: 440

.
tagaatatgtgggcttttgtgattagcttctttcacttagcatgatgtttccaaggttca
.
tccatgtgaaatcaaaactttttaaaagaaatttgacactcggctgattatattagtga
.
tgataaaaaatagatcagtggctctttaaaaatgtatatggtaattttatgggttgatttt
.
aatgtatatattttacattttttgtacttttgcacatggaagaaatgttggataaagcataat
.
ttgtcaagctcctaactaattaagggtttaattcatgctttgcacaaaaattttgtgtttag

|2411 |2421 |2431 |2441 |2451 |2461
GCTGCTGAAAGCCTTCACAAGACCATTGTTAAGAGGCGAATGTCCCATGTGAGTGGAGGA
A A E S L H K T I V K R R M S H V S G G
|811 |821

|2471 |2481 |2491 |2501 |2511 |2521
GGATCCATAGATTTGTCTGACACAGACTCCCTACAGGAATGGATCAACATGACTGGCTTC
G S I D L S D T D S L Q E W I N M T G F
|831 |841

|2531 |2541 |2551 |2561 |2571 |2581
CTTTGTGCCCTTGGGGGAGTGTGCCTCCAGCAGAGAAGCAATTCTGGCCTGGCAACCTAT
L C A L G G V C L Q Q R S N S G L A T Y
|851 |861

|2591 |2601 |2611 |2621 |2631 |2641
AGCCCACCCATGGGTCCAGTCAGTGAACGTAAGGGTTCTATGATTTTCAGTGATGTCTTCA
S P P M G P V S E R K G S M I S V M S S
|871 |881

|2651 |2661 |2671 |2681 |2691 |2701
GAGGGAAACGCAGATACACCTGTCAGCAAATTTATGGATCGGCTGTTGTCCTTAATGGTG
E G N A D T P V S K F M D R L L S L M V
|891 |901

2711	2721	2731	2741	2751	2761
TGTAACCATGAGAAAAGTGGGACTTCAAATACGGACCAATGTTAAGGATCTGGTGGGTCTA					
C	N	H	E	K	V
		G	L	Q	I
				R	T
				N	V
				K	D
				L	V
				G	L
			911		921

2771	2781	2791	2801	2811	2821
GAATTGAGTCCTGCTCTGTATCCAATGCTATTTAACAAATTGAAGAATACCATCAGCAAG					
E	L	S	P	A	L
		Y	P	M	L
			F	N	K
				L	K
				N	T
				I	S
				K	
			931		941

2831	2841
TTTTTTGACTCCCAAGGACAGgtaaagtgttctcttatttttcacctttctctatgaata									
F	F	D	S	Q	G	Q			

.
gagtgacttggttgaaataagcctttttctttcagattatttaaattaggtactcacagt									

.
ttttaaaaaatttccaaaaaattgcagaaagaagagtcacatctcaatgtaggggtcagcttg									

.
cctcttaggaactctggtgtgtatgtgtgcctaagggtatacgtgccctgtgtatgggta									

.
cgagtgtctgcgtatatctgtatgcttatttggctctatgcctgtgggtgcacttactct									

.
gtgtgttttagatcagtcagtt				

Exon 22 | Start: 139859 | End: 139998 | Length: 139
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the following exon

```

. . . . .
ttcagattatttaaattaggtactcacagtttttaaaaatttccaaaaaattgcagaaag

. . . . .
aagagtcacatctcaatgtaggggtcagcttgcctcttaggaactctgggtgtgtatgtgtgc

. . . . .
ctaagggtatacgtgccctgtgtatgggtacgagtgctgcgtatatctgtatgcttatt

. . . . .
tggctctatgcctgtgggtgcacttactctgtgtgttttagatcagtcagtttcacatctc

. . . . .
taggggggtctgtcttctgggcattgatggcaaatcattaatgtatttggtctttcttttag

|2851      |2861      |2871      |2881      |2891      |2901
GTTTATTGACTGATACCAATACTCAATTTGTAGAACAAACCATAGCTATAATGAAGAAC
V  L  L  T  D  T  N  T  Q  F  V  E  Q  T  I  A  I  M  K  N
|951                                |961

|2911      |2921      |2931      |2941      |2951      |2961
TTGCTAGATAATCATACTGAAGGCAGCTCTGAACATCTAGGGCAAGCTAGCATTGAAACA
L  L  D  N  H  T  E  G  S  S  E  H  L  G  Q  A  S  I  E  T
|971                                |981

|2971      |2981      . . . . .
ATGATGTTAAATCTGGTCAGgtaagcattctactgaaatgtagcagaaacattttaagag
M  M  L  N  L  V  R
|991

. . . . .
ataagaaaaacctcttacacactgatactggtagtaattgataaaaataactggccattct

. . . . .
ttactgcacacaaactaggggtgtgacagtaaggtagccagaa

```

Exon 23 | Start: 140284 | End: 140406 | Length: 122
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the previous exon

```

. . . . .
gttggtgtacgttcttttctaaataaatatcttattgttttcaaacttacatttaattcgt

. . . . .
tttacttgatgactaaagtatttagaatgccttctcttttgtctatatctgataattttt

. . . . . |2991 |3001 |3011 |3021
ttattgtttctatgtctatatagGTATGTTTCGTGTGCTTGGGAATATGGTCCATGCAATT
                        Y V R V L G N M V H A I
                        |1001

|3031 |3041 |3051 |3061 |3071 |3081
CAAATAAAAAACGAACTGTGTCAATTAGTTGAAGTAATGATGGCAAGGAGAGATGACCTC
Q I K T K L C Q L V E V M M A R R D D L
|1011 |1021

|3091 |3101 |3111 . . . . .
TCATTTTGCCAAGAGATGAAATTTAGgtgagttctcaaaagagcaatgtagggctcttgta
S F C Q E M K F R
|1031

. . . . .
aatcttaatatgtccaatgaagtacagaaaaagagtagatatgcggttattggtagaaag

. . . . .
gaggacatgaaaagagagcaatttacatgtttgttttctctacatctcttctcaaattt

. . . . .
ccctaagctttgtgcctgtgacaatgctcccttttctaaaactgtgctatacttgagct

. . . . .
aagaatttgattctattttccaatctgataccataactaagggccatgatggaggataaat

. . . . .
atccatggttgcttggttccttctggc

```

Exon 24 | Start: 140866 | End: 140949 | Length: 83

.
agctttgtgcctgtgacaatgctccctttttctaaaactgtgctatacttgagctaagaa

.
tttgattctatttccaatctgataccataactaagggccatgatggaggataaatatcca

.
tgttgcttggtcccttctggcttttatgtctgtgatagcagtatctcttttataaaagtcg

.
tcatgtcacttaggttatctggcaaattatttgcactataagaaatcttacgtgactaaa

.
ggtgtgtgtgtggcttcaaaaacattgtttgctgtttctcttttctccaccattctatag

 |3121 |3131 |3141 |3151 |3161 |3171
GAATAAGATGGTAGAATACCTGACAGACTGGGTTATGGGAACATCAAACCAAGCAGCAGA
 N K M V E Y L T D W V M G T S N Q A A D
 |1041 |1051

 |3181 |3191
TGATGATGTAAAAATGTCTTACAAGgtaaaaaaagaatgaccttcaagtattagtgggttt
 D D V K C L T R
 |1061

.
tactgtgagagttataactacttaattacagctttatacttgtattttgtgtgtatttaa

.
acttttgagatgtcaaacttttgtgtttgaaatatgtaaagatgctaacttttattactg

.
cttttttttgactgatagactttcagtaaaattaaatgtgaaagagtgatatgtttggga

.
agttagtgttgtcagtttatgaagaatagtctacagttattgggaaataagatacataaa

.
gcctcagattgcatttgtgttatg

Exon 25 | Start: 142097 | End: 142213 | Length: 116

```
. . . . .
atggatatagaactcactgatacagagggccattgtacatgcttctgatttaaggtagc

. . . . .
cattttgccaaagattactttgtagaaagtaagtattaccttctccccatttgagatgatt

. . . . .
ttgtattctgggatctgcatattaactcaaattatttgggttgctgctaataatttgttta

. . . . .
atgaaataggtagttcctaaggtttatatctgtagtaagaggtttatttgaggggaagt

. . . . .
gaaagaacttgaaagattcatggtctctaaatttttttttttttttttttttttttcag

      |3201      |3211      |3221      |3231      |3241      |3251
AGATTGGACCAGGCAAGCATGGAAGCAGTAGTTTCACTTCTAGCTGGTCTCCCTCTGCA
D L D Q A S M E A V V S L L A G L P L Q
      |1071                        |1081

      |3261      |3271      |3281      |3291      |3301      |3311
GCCTGAAGAAGGAGATGGTGTGGAATTGATGGAAGCCAAATCACAGTTATTTCTTAAGta
P E E G D G V E L M E A K S Q L F L K
      |1091                        |1101

. . . . .
aatttcagtcaccaaaaaacataaagcaaaaagcaaataaagccccccaccacacaaaaa

. . . . .
aagcaaagaaataatacccatgacaggactaggataggaaaataactgtgttttgatgatt

. . . . .
tttttaagaaagtaatatgatcagtgaaattttgcttataataaaaccagattgcttc

. . . . .
attaagtcatttacaaaagtgacattgtctaagctgtttggaccactaattttatatact

. . . . .
aacattaaaagtgacacatttaccaggtaatattgcatctatttgatgctaagtgtta
```

Exon 26 | Start: 142724 | End: 142905 | Length: 181
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the following exon

.
 tctaagctgtttggaccactaattttatataactaacattaaaagtgcacatttaccagg

.
 taatattgcatctatttgatgctaattgttatgaaaggatatactaggctatatcagggtaaa

.
 atcatgtccaacatagcacacttcataataagccaccctggctgattatcgcgagagagg

.
 agagaaacagttaaccaggggccattcacaccatgcacatatgattgttttggaaatgtct

.
 ggtagctttctagttgatacggccttcactatgtaaaggtcagtcctttttatttctcag

3321	3331	3341	3351	3361	3371
ATACTTCACATTATTTATGAACCTTTTGAATGACTGCAGTGAAGTTGAAGATGAAAGTGC					
Y F T L F M N L L N D C S E V E D E S A					
	1111			1121	

3381	3391	3401	3411	3421	3431
GCAAACAGGTGGCAGGAAACGTGGCATGTCTCGGAGGCTGGCATCACTGAGGCACTGTAC					
Q T G G R K R G M S R R L A S L R H C T					
	1131			1141	

3441	3451	3461	3471	3481	3491
GGTCCTTGCAATGTCAAACCTTACTCAATGCCAACGTAGACAGTGGTCTCATGCACTCCAT					
V L A M S N L L N A N V D S G L M H S I					
	1151			1161	

.
 AGgtgagatcaaataaaagtttcatatagaaatacaaaacctagagaactggcatgtaag
 G

.
 ag

Exon 27 | Start: 143026 | End: 143237 | Length: 211
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the previous exon

```

. . . . .
aagcaaaaattacttcagcaaggccatggttagtaaatttgcacatctgtttgtccacattag

      |3501      |3511      |3521      |3531      |3541      |3551
GCTTAGGTTACCACAAGGATCTCCAGACAAGAGCTACATTTATGGAAGTTCTGACAAAAA
  L  G  Y  H  K  D  L  Q  T  R  A  T  F  M  E  V  L  T  K  I
                |1171                                |1181

      |3561      |3571      |3581      |3591      |3601      |3611
TCCTTCAACAAGGCACAGAATTTGACACACTTGCAGAAAACAGTATTGGCTGATCGGTTTG
  L  Q  Q  G  T  E  F  D  T  L  A  E  T  V  L  A  D  R  F  E
                |1191                                |1201

      |3621      |3631      |3641      |3651      |3661      |3671
AGAGATTGGTGGAACTGGTCACAATGATGGGTGATCAAGGAGAACTCCCTATAGCGATGG
  R  L  V  E  L  V  T  M  M  G  D  Q  G  E  L  P  I  A  M  A
                |1211                                |1221

      |3681      |3691      |3701      . . . . .
CTCTGGCCAATGTGGTTCCTTGTCTCAGTGGgtaagtgattagagtaagcggggaagaa
  L  A  N  V  V  P  C  S  Q  W
                |1231

. . . . .
aagtgccctggcacatagcaaadccttcagaatatatttgttcaataaatgtttgttgaat

. . . . .
gaattgataaaatttcagagccagaagaaagatgtttagttaggtgatttttcagctgta

. . . . .
gggaagtgggtggcaccactagacctgactagtgttctgtatcatttcacactactaaaa

. . . . .
aattccatttaaacgcattaaaaatcactgatctactctgggtgtcttcatatatttgata

. . . . .
aggttaattaggttaaaccctaatttttagttagt

```

Exon 28 | Start: 145635 | End: 145796 | Length: 161
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the following exon

```

. . . . .
tttgtgatgtaatttgagctgaatcttgagatgttctcctagtaaagcgtaggcctc

. . . . .
tcttaatagcttttaccggttaatccttggaattaacagctatcatagacattgtatata

. . . . .
gtcatctatcataaacaatgtacactgttaaactcaggataaaatattaatcagtcatca

. . . . .
tttgccttaatttagcaagtggttgcaactttgggtttacatttttgctactctttagc

. . . . .
ttcctacctaagaataaaaaatgggattggttgactaacctgattttgtttgttctcag

|3711      |3721      |3731      |3741      |3751      |3761
GATGAAC TAGCTCGAGTTCTGGT TACTCTGTTTGATTCTCGGCATTTACTCTACCAACTG
D E L A R V L V T L F D S R H L L Y Q L
|1241                                |1251

|3771      |3781      |3791      |3801      |3811      |3821
CTCTGGAACATGTTTTCTAAAGAAGTAGAATTGGCAGACTCCATGCAGACTCTCTTCCGA
L W N M F S K E V E L A D S M Q T L F R
|1261                                |1271

|3831      |3841      |3851      |3861      . . .
GGCAACAGCTTGGCCAGTAAAATAATGACATTCTGTTTCAAGgtttgtatcattcatttt
G N S L A S K I M T F C F K
|1281

. . . . .
gtgtgtatgtgtgtgctgaggatgtcaagtaatgattatgtacagaatgtgca

```


Exon 29 | Start: 145942 | End: 146045 | Length: 103
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the previous exon

```

. . . . .
gggctgattgtcttcttttaaggtaaaatatatggagcaggtataataaaactcctattcg

. . . |3871 |3881 |3891 |3901 |3911
tgcatttctgtagGTATATGGTGCTACCTATCTACAAAACTCCTGGATCCTTTATTACG
      V Y G A T Y L Q K L L D P L L R
      |1291 |1301

      |3921 |3931 |3941 |3951 |3961 |3971
AATTGTGATCACATCCTCTGATTGGCAACATGTTAGCTTTGAAGTGGATCCTACCAGgtt
      I V I T S S D W Q H V S F E V D P T R
      |1311 |1321

. . . . .
tgtcatcttttcacatagaaccgctgttttttgtttttttttttgtttgtttgtttta

. . . . .
ctaacactgcatgaagcaaggcaccttctccccttgatcattaaaattagtttttaatta

. . . . .
taaaagttatatacaaatacacgtttctttaatgatatctgtaatttttttttaaggtat

. . . . .
ccttttatattgccttagatccagggacaaactagagaaagggtgtctttgacttccacctc

. . . . .
cagagactgttactagttaagtctgttcccctgtcctttttccatgcatttacatat

```

Exon 30 | Start: 159008 | End: 159143 | Length: 135

.
gactaatttttgatatttttagtagagatggggtttcaccatggtggccaggctggtcttg

.
aactcctgacctcaaagatctgtcagccttggcctcccaaagtactgggattgcaggcg

.
taagccatccagccctgtcaaagttgtcttttttttttatagttggtgtttaaat

.
tccaatgaagtctacacgttgaccttggttaatgtctgtataagagtctcttttaagga

.
gtgatttttgttatttgttttaacaaaagtgttaggattttattttattttttgtag

 |3981 |3991 |4001 |4011 |4021 |4031
GTTAGAACCATCAGAGAGCCTTGAGGAAAACCAGCGGAACCTCCTTCAGATGACTGAAAA
L E P S E S L E E N Q R N L L Q M T E K
 |1331 |1341

 |4041 |4051 |4061 |4071 |4081 |4091
GTTCTTCCATGCCATCATCAGTTCCTCCTCAGAATCCCCCTCAACTTCGAAGTGTGTG
F F H A I I S S S S E F P P Q L R S V C
 |1351 |1361

 |4101
CCACTGTTTATACCAGgtatgcttacagttagagattaccattattaatctaaagttaa
H C L Y Q

.
ttatgaagaatgctttatcaaagaaggatctagctgctgatggtgtgtggttaactataa

.
tactgagtcagtttgatgaataatacattgagaattgttgaattgtctttgaaaaaaa

.
cttaaatattacttaggcaacagtttgaagtaagagaataactttaaaataactaaatttta

.
cttgcatggggagcaagtttaaaatgcagtgaatccattgggtatgatggatgtggctga

.
aatgaacatattatgg

Exon 31 | Start: 162962 | End: 163024 | Length: 62

.
tgtaaatatttaataatcctcaaattcacttggagagaggttttctgtgattcatagccag

.
aaatagtagacatgattgggtctcaacatttcttgctgttttagtgcttggcttaaaaat

.
gtaataaaaaattaaaaccagaattaaaattcattcctcaaaattcagttgatttcta

.
tttttgttgattccatttgtgttacattttatgggtgaattttatgtacaagccaacatt

.
gtttttgttgctgtatgtagtcggtgctgtgacttgtttgtgctcatctctgttctgtag

|4111 |4121 |4131 |4141 |4151 |4161
GCAACTTGCCACTCCCTACTGAATAAAAGCTACAGTAAAAGAAAAAAGGAAAACAAAAA
A T C H S L L N K A T V K E K K E N K K
|1371 |1381

|4171
TCAgtaagtttgagaaactttttattagctgtttctttcaaagcaaaacaaaaatctttt
S
|1391

.
gctgtttgtaagaatatcttcacttcagcctatttgaccttcactgtaaaatcattcta

.
ctaattctggcacaaaatagctttcatttcaattaaccctggaattaagttacattgaaa

.
cattctctgtgttcctttgggttgatttatcccaaaggcaatttgtgggcatttgttgca

.
ttggataatccttgggtctaattttattattgttactttttaaattataaatgaatgcaaag

.
aaa

Exon 32 | Start: 168368 | End: 168526 | Length: 158

```
. . . . .
acatgcagtataagtgatgatacagtgaaagatcttttttcagggtttcttctacccatctc

. . . . .
atccatgagggtttttctttcctctgagataccttaattgtactttaatatgatataagac

. . . . .
tagaattgagaggaaactttattttctcatgttttgggagaagaaaaaatagaaatatg

. . . . .
tcattcatgaggactgattgattcagagtttttatgcaaagtttgacctttgaactcttt

. . . . .
gttttcatgtctttatattaattcaaaccttatactcaattctcaactccttgtttttag

      |4181      |4191      |4201      |4211      |4221      |4231
GTGGTTAGCCAGCGTTTCCCTCAGAACAGCATCGGTGCAGTAGGAAGTGCCATGTTTCCTC
V V S Q R F P Q N S I G A V G S A M F L
                        |1401                        |1411

      |4241      |4251      |4261      |4271      |4281      |4291
AGATTTATCAATCCTGCCATTGTCTCACCGTATGAAGCAGGGATTTTAGATAAAAAGCCA
R F I N P A I V S P Y E A G I L D K K P
                        |1421                        |1431

      |4301      |4311      |4321      |4331 . . . .
CCACCTAGAATCGAAAGGGCTTGAAGTTAATGTCAAAGgtgaattattttgataatcta
P P R I E R G L K L M S K
                        |1441

. . . . .
gctatcttaaattccccttccaactaaattttcagcttttcttacagtacttcctcttac

. . . . .
atttatatttgaaataccctatggttttcagttatgtgcttttgttttatttgtttatat

. . . . .
tacaaaggaattcattagttaggtacctgatggaccttattttcatgataaaacatttta

. . . . .
ttatagcagatgtcttggtgttatgaagatcattttttgcgtaatcattctagacattctg

. . . . .
aaacagactagaatgtagactataggattttttatttta
```

Exon 33 | Start: 169056 | End: 169153 | Length: 97

.
tcattttttgcgtaatcattctagacattctgaaacagactagaatgtagactataggat

.
tttttattttaaaagtcattaaacatttttaatatgtatttttacatgtaaataataaa

.
ttatatatttggaaggttagaaacactacctaataatttatagaatgaggaatgtttga

.
tttttaagtactagcagaaattatatcaatgagaaaattcatgtttttaagaatgtctt

.
aatgtatagacttcatacaataaataatctgattatttataaccctgttttattgtgtag

 |4341 |4351 |4361 |4371 |4381 |4391
ATACTTCAGAGTATTGCCAATCATGTTCTCTTCACAAAAGAAGAACATATGCGGCCTTTC
I L Q S I A N H V L F T K E E H M R P F
 |1451 |1461

 |4401 |4411 |4421 . . .
AATGATTTTGTGAAAAGCAACTTTGATGCAGCACGCAGgtaattttcttgccacttactc
N D F V K S N F D A A R R
 |1471

.
agttgctctgtttgaatcaaataattttcggtttcacataaatccatgtacctgttttaca

.
tgaagttcctgtgtaagtttttttctttcctgctctaggtcaagacatagcttgtctta

.
ttttattttactataaaaagacagtcatgaaataaattaatatatttttataatttggtagt

.
gattttcatatttgaaaaccaagagggatttttgacatgtctaattaaataaaggatttg

.
aggatggtacaatatgtggacaaggaagaagtaggatt

Exon 34 | Start: 170393 | End: 170539 | Length: 146

```
. . . . .
tctggaccttcatttccttatctgtaaaatactagcctctttccaaagtttcatccatct

. . . . .
taattttgttgttgtttaacttcagagcctactttgaagctgaagccgggtatcagaaat

. . . . .
ggaaagccaactttctccttgtcctttttgctttgtctaagtcaagtcacattgtgtga

. . . . .
acaagccctccatatttgtaatcttagttacttcacaaagttacttcttataaaatttaat

. . . . .
tcaaacataagtctgggtgtatctgggtgtgaaaattctaatactttgcatttttgaag

|4431      |4441      |4451      |4461      |4471      |4481
GTTTTTCCTTGATATAGCATCTGATTGTCCTACAAGTGATGCAGTAAATCATAGTCTTTC
 F F L D I A S D C P T S D A V N H S L S
      |1481                      |1491

|4491      |4501      |4511      |4521      |4531      |4541
CTTCATAAGTGACGGCAATGTGCTTGCTTTACATCGTCTACTCTGGAACAATCAGGAGAA
 F I S D G N V L A L H R L L W N N Q E K
      |1501                      |1511

|4551      |4561      |4571      . . . . .
AATGGGCAGTATCTTTCCAGCAACAGgtaagatttcccagtcatggggatagtgaacac
 I G Q Y L S S N R
      |1521

. . . . .
tctccgtttaaatntagattaatacaattattgggtcatgaatagtgcctttttactttgca

. . . . .
tcttcttggactaagaattatggtttagaaagagaaagattctttttttcaaaaaaatac

. . . . .
aaacaaaaggttaagtcataataaataatcaacaaacctacctaggttcagtggtcatt

. . . . .
attattatttttttgtcaggttaagaaatcacagatttgctctttgggtttttatggctt

. . . . .
gcagattgttatagatccaaagaagtt
```

Exon 35 | Start: 171735 | End: 171881 | Length: 146

```
. . . . .
aggaagaatgagtccaaattatTTTTAAATGCCAATAAAAAATGATTAGCACATTCACGGG

. . . . .
aaaagtagtggactgtgaagctaagggtgaagcaattgggagatgggagtttaaatacag

. . . . .
ggcattttaatcttttatgaattattaatggattgaagtagacatggtcctgaggtcttt

. . . . .
ttggtgctgtttacaaatcagctgacagtaaaaggaaaagcaaccagttacaagttaaag

. . . . .
aatgtgtagtgctaaatgtgaactgctaattTTTTTCTAAGTAGTTTGCTGTATCTAG

      |4581      |4591      |4601      |4611      |4621      |4631
GGATCATAAAGCTGTTGGAAGACGACCTTTTGATAAGATGGCAACACTTCTTGCATACCT
D H K A V G R R P F D K M A T L L A Y L
      |1531                        |1541

      |4641      |4651      |4661      |4671      |4681      |4691
GGGTCCTCCAGAGCACAAACCTGTGGCAGATACACACTGGTCCAGCCTTAACCTTACCAG
G P P E H K P V A D T H W S S L N L T S
      |1551                        |1561

      |4701      |4711      |4721      . . . . .
TTCAAAGTTTGAGGAATTTATGACTAGGtaaaagtacaaccttgaaatagttgattgcttt
S K F E E F M T R
      |1571

. . . . .
ctttttggttgagaaggagagtttgccaccaggccacttgtagatatgatagaagacta

. . . . .
tgaggaaagatgtatttaataatcacattgccatgtttggggaatccaactatatattat

. . . . .
ttatatatataggggtgtgttttattttatatattgattgtcataacaatagtaacaaatc

. . . . .
atattttatcatcttgctttcataagttttcacatttaatacttaccagggagtgaagac

. . . . .
aacattattttcaaattatagttaagg
```

Exon 36 | Start: 175253 | End: 175363 | Length: 110

.
tgaattattttaaaaaatcataaacttctgtctgggacaaaaatgtcatgagtaaaaccaa

.
tcctatggttaatatcttgcccagtagttctcttagaatagtcctaaaagtgcctttgt

.
ggttcaaagagtaataccttgaaattttgggtgcatggtgccaaattaccctttagaatg

.
cctgttgcttttaaaatatttttcatcttagtattttattgtttatccaattatagact

.
tttttacatactcagtagacaacataaagcctcataattactctgttatttttcttttag

 |4731 |4741 |4751 |4761 |4771 |4781
GCATCAGGTACATGAAAAAGAAGATTCAAGGCTTTGAAAACGTTAAGTATTTTCTACCA
 H Q V H E K E E F K A L K T L S I F Y Q
 |1581 |1591

 |4791 |4801 |4811 |4821 |4831 .
AGCTGGGACTTCCAAAGCTGGGAATCCTATTTTTTATTATGTTGCACGGAGgtaagaaat
 A G T S K A G N P I F Y Y V A R R
 |1601 |1611

.
actatgttttgggtctcttaacagaattttttaaattatagcaaatatagagagatggca

.
agtttggtttttcccagttgacttaacaggaattgaagacaagtttacttgggagcatat

.
agcagggtaaatagcctgcgtttcctaaaatgatggtcggtatctagtagctgcttttca

.
tactacccatttcatattgcttactctgtcctacatcattttttaaaatactgcctgcaa

.
tggattaattaccaagagttaaaaaccacaaagaatcttttgttttcaag

Exon 37 | Start: 235844 | End: 236276 | Length: 432

```
. . . . .
ttggtgggccctgcaggcaaccaactaattcccactgttttcttcctttcttgactcatg

. . . . .
ggcaaattttttattgttgtcgtggctcaaaatttttgaattggagatttgtctcttctc

. . . . .
ttagccttattttctcagtggtccaaaaaacaactgatttaaaaaatgaatccagactttga

. . . . .
agaattgttttatattattctctctagaaaatgaatcataaaataaaaattgattagtggc

. . . . .
atctgtatatatttttaaacactgctaataatctttgtctttttgtcattttccttag

      |4841      |4851      |4861      |4871      |4881      |4891
GTTCAAAACTGGTCAAATCAATGGTGATTGCTGATATACCATGTCTTACTGACTTTAAA
  F  K  T  G  Q  I  N  G  D  L  L  I  Y  H  V  L  L  T  L  K
                        |1621                                |1631

      |4901      |4911      |4921      |4931      |4941      |4951
GCCATATTATGCAAAGCCATATGAAATTGTAGTGGACCTTACCCATACCGGGCCTAGCAA
  P  Y  Y  A  K  P  Y  E  I  V  V  D  L  T  H  T  G  P  S  N
                        |1641                                |1651

      |4961      |4971      |4981      |4991      |5001      |5011
TCGCTTTAAACAGACTTTCTCTCTAAGTGGTTTGTTGTTTTTCCTGGCTTTGCTTACGA
  R  F  K  T  D  F  L  S  K  W  F  V  V  F  P  G  F  A  Y  D
                        |1661                                |1671

      |5021      |5031      |5041      |5051      |5061      |5071
CAACGTCTCCGCAGTCTATATCTATAACTGTAACCTCCTGGGTCAGGGAGTACACCAAGTA
  N  V  S  A  V  Y  I  Y  N  C  N  S  W  V  R  E  Y  T  K  Y
                        |1681                                |1691

      |5081      |5091      |5101      |5111      |5121      |5131
TCATGAGCGGCTGCTGACTGGCCTCAAAGGTAGCAAAAGGCTTGTTTTCATAGACTGTCC
  H  E  R  L  L  T  G  L  K  G  S  K  R  L  V  F  I  D  C  P
                        |1701                                |1711
```


Exon 38 | Start: 237523 | End: 237863 | Length: 340

```
. . . . .
tgatctgccacctcggcctcccaaagtgctgggattacagggatgagccactgcacccg

. . . . .
gccttctataagattcttgacctttttaaaaaggaaaattaaaaaatttttaaagtgttt

. . . . .
ttgtttcttttgagaacatttatcataataattactgaaccatttgaatatacaatggtg

. . . . .
ggaactcttccttaaagtgcatagtgttttgtttggttggttggtttctggagcctttta

. . . . .
gaattttatgtaaaagagtttaattcttctccacttcaccccgtcaccaccactttccag

|5271      |5281      |5291      |5301      |5311      |5321
GTTGGTTCTACTGCTGTCCAAGTAACTTCAGCAGAGCGAACAAAAGTCCTAGGGCAATCA
V G S T A V Q V T S A E R T K V L G Q S
|1761                                |1771

|5331      |5341      |5351      |5361      |5371      |5381
GTCITTCTAAATGACATTTATTATGCTTCGGAAATTGAAGAAATCTGCCTAGTAGATGAG
V F L N D I Y Y A S E I E E I C L V D E
|1781                                |1791

|5391      |5401      |5411      |5421      |5431      |5441
AACCAGTTCACCTTAACCATTTGCAAACCAGGGCACGCCGCTCACCTTCATGCACCAGGAG
N Q F T L T I A N Q G T P L T F M H Q E
|1801                                |1811

|5451      |5461      |5471      |5481      |5491      |5501
TGTGAAGCCATTGTCCAGTCTATCATTCATATCCGGACCCGCTGGGAACTGTCACAGCCC
C E A I V Q S I I H I R T R W E L S Q P
|1821                                |1831

|5511      |5521      |5531      |5541      |5551      |5561
GACTCTATCCCCAACACACCAAGATTTCGGCCAAAAGATGTCCCTGGGACACTGCTCAAT
D S I P Q H T K I R P K D V P G T L L N
|1841                                |1851
```

|5571 |5581 |5591 |5601 . . .
 ATCGCATTACTTAATTTAGGCAGTTCTGACCCGAGTTTACGgtaggtttttttaaattct
 I A L L N L G S S D P S L R
 |1861

 cttcagtttgatttggggtttggtgctttttaaagttagaccatttaattgaatttttaaacc

 agcctctacctaataattgtaaattggaaggatgcagtggttggttaaccactgtgacct

 catcaagttgtgggtattcacatgaactgtggaattccaaacagggtgattcacactaa

 accaatatatgtcctttctccatcatgtaaaacaacacgacatagcagattttttttcc

 aaagtatcctaaattaagtttttcttcctctaagtcctcta

Exon 39 | Start: 240320 | End: 240522 | Length: 202

```
. . . . .
atattttatgtctcagtgagatgtatttttaggaaagcctataaccccgcccctctgtcata

. . . . .
ggagcctcacagtgctcttatggttatatcaagtggtgtccctttttataaaaatccctaaa

. . . . .
tgattaaggggtattttggttttactgtagaattataaacatcttattttctaactgatcat

. . . . .
aaaattttaaaaatagttgatcatactttgtaacagaatcacaaattgtatgttatgaaaa

. . . . .
aattttggaactataaggaaaaatacgttttaaaacaacttcatttgtgttttctcctag

|5611      |5621      |5631      |5641      |5651      |5661
GTCAGCTGCCTATAATCTTCTGTGTGCCTTAACTTGTACCTTTAATTTAAAAATCGAGGG
S A A Y N L L C A L T C T F N L K I E G
|1871                                |1881

|5671      |5681      |5691      |5701      |5711      |5721
CCAGTTACTAGAGACATCAGGTTTATGTATCCCTGCCAACAACACCCTCTTTATTGTCTC
Q L L E T S G L C I P A N N T L F I V S
|1891                                |1901

|5731      |5741      |5751      |5761      |5771      |5781
TATTAGTAAGACACTGGCAGCCAATGAGCCACACCTCACGTTAGAATTTTGGGAAGAGTG
I S K T L A A N E P H L T L E F L E E C
|1911                                |1921

|5791      |5801      |5811 . . . . .
TATTTCTGGATTTAGCAAATCTAgtaagtaatgataattttctttaactaacaattat
I S G F S K S S
|1931

. . . . .
tctaagagaattcaaagaaaaccctttcatttcagaattttccagtggaagactttcactt

. . . . .
acattttttacttttttttctcttctgatttttatatctgtggtatcctgtaactgaaggaa
```

ctctgaagggaacttttttggtaggccacattgagaaatccaccaaaattctgataataaaa
gcaaagcggcaagagtttggtactttacacacctctggaccacttaciaaagtattttctt
cactgttgcaagtttaattagctt

Exon 40 | Start: 244862 | End: 245055 | Length: 193

.
attaccacatttccttttataatgagaataaaaacaactttttaacaagaaaggactaaaa

.
tggaggaaaataagacaaaacttttcaaaaattggcttactggcttttaaaattactttc

.
ttcaaggactgttctttcttcgcctctacaaaaatatatttgccaagtgtcttttctcca

.
ggcctgattctaggtaatagtcctttaccttttaccattttttccccgaattctttatgtt

.
aaataattgttgatgtgattttcattgaccatcacatgctaatagtgtatttttttccag

 |5821 |5831 |5841 |5851 |5861 |5871
GTATTGAATTGAAACACCTTTGTTTGGAAATACATGACTCCATGGCTGTCAAATCTAGTTC
 I E L K H L C L E Y M T P W L S N L V R
 |1941 |1951

 |5881 |5891 |5901 |5911 |5921 |5931
GTTTTTGCAAGCATAATGATGATGCCAAACGACAAAGAGTTACTGCTATTCTTGACAAGC
 F C K H N D D A K R Q R V T A I L D K L
 |1961 |1971

 |5941 |5951 |5961 |5971 |5981 |5991
TGATAACAATGACCATCAATGAAAAACAGATGTACCCATCTATTCAAGCAAAAATATGGG
 I T M T I N E K Q M Y P S I Q A K I W G
 |1981 |1991

 |6001
GAAGCCTTGGGCAGgtattgagtttgctcaaataattatctagtatctcctttgtgcaca
 S L G Q
 |2001

.
tatttatctggtgccacattgggcaaagcactgcgctagacactagggatagagttgtaa

.
aaaacacagtttcctccttcagaaagcatgtagacactcaccagctcttcatctggttc

aaaattgtaaagtctagtgcatgtctcagagccagagaaaagctagttatttgcacagt
ctccttcaaggcataattatatatatatatatatataattatgccttgaaggagactg
tgcaaataactaga

Exon 41 | Start: 246357 | End: 246497 | Length: 140
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the following exon

```

. . . . .
tgtcttagaaaagcatagagatactttgcaagtgactgaagatagattgatagagattt

. . . . .
aaaatttttgaataccaatctcttaatctctgaaggagtcaaatactcatcctt

. . . . .
tactggatattttataataaattgtatttactgacaggcctgtaaataaaatctagtatt

. . . . .
tttgaggcctcaggtaaaatagaattttcatattgattaggctgttccaatgaatatttt

. . . . .
ttaattaaaaattaaattgtagagtgattaaaaacatgttattttccttcttcaactag

      |6011      |6021      |6031      |6041      |6051      |6061
ATTACAGATCTGCTTGATGTTGTACTAGACAGTTTCATCAAAACCAGTGCAACAGGTGGC
I  T  D  L  L  D  V  V  L  D  S  F  I  K  T  S  A  T  G  G
                        |2011                                |2021

      |6071      |6081      |6091      |6101      |6111      |6121
TTGGGATCAATAAAAAGCTGAGGTGATGGCAGATACTGCTGTAGCTTTGGCTTCTGAAAT
L  G  S  I  K  A  E  V  M  A  D  T  A  V  A  L  A  S  G  N
                        |2031                                |2041

      |6131      |6141      . . . . .
GTGAAATTGGTTTCAAGCAAGgtaatcacttttcttttgccttctgtactatagcatatc
V  K  L  V  S  S  K

. . . . .
tgttttatcatcaggaggttttttgttttgtaattactttt

```

Exon 42 | Start: 246659 | End: 246938 | Length: 279
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the previous exon

.
 aaattaaactgaacttttttgtgctaaaactttgagtcccatgttttttttttaaaaaa

. |6151 |6161 |6171 |6181
 aaaaatcctgcttctttacagGTTATTGGAAGGATGTGCAAAATAATTGACAAGACATGC
 V I G R M C K I I D K T C
 |2051 |2061

|6191 |6201 |6211 |6221 |6231 |6241
 TTATCTCCAACCTCCTACTTTAGAACAACATCTTATGTGGGATGATATTGCTATTTTAGCA
 L S P T P T L E Q H L M W D D I A I L A
 |2071 |2081

|6251 |6261 |6271 |6281 |6291 |6301
 CGCTACATGCTGATGCTGTCCTTCAACAATTCCCTTGATGTGGCAGCTCATCTTCCCTAC
 R Y M L M L S F N N S L D V A A H L P Y
 |2091 |2101

|6311 |6321 |6331 |6341 |6351 |6361
 CTCTTCCACGTTGTTACTTTCTTAGTAGCCACAGGTCCGCTCTCCCTTAGAGCTTCCACA
 L F H V V T F L V A T G P L S L R A S T
 |2111 |2121

|6371 |6381 |6391 |6401 |6411 |6421
 CATGGACTGGTCATTAATATCATTCACTCTCTGTGTACTTGTTACAGCTTCATTTTAGT
 H G L V I N I I H S L C T C S Q L H F S
 |2131 |2141

.
 Ggtaagttctaggaaggaatttgtgtttaccagttcctttctccattttacttcacctg
 E

.
 atcaatatagattatcttatttatgtttgtgctctaacaccaagttgctaatttaagcct

.
 ccagtaatgacatgaaatattaccaaaaagaaaataaattacttccattccatatcaagc

.
 tatagtaaagattttctatgcatacttgtcatgtagagttatcccataagcggaatactc

.
agtgccagttgaccatgttcagttaccagcactaatttgtagataaatgaagcaaggagc

.
a

Exon 43 | Start: 247392 | End: 247606 | Length: 214
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the following exon

```

. . . . .
taaattacttccattccatatcaagctatagtaaagattttctatgcatacttgtcatgt

. . . . .
agagttatcccataagcggaataactcagtgccagttgaccatgttcagttaccagcacta

. . . . .
atttgtagataaatgaagcaaggagcattaataacaatgtatctagaggtttgatttaggg

. . . . .
aacatgattatgtaatTTTTtatatggtattcaaattttctaaattcaaaatgaaacatgg

. . . . .
aactttagaaattaaaaagtaatatTTTctgtctttacttgttcctttattctcttacag

      |6431      |6441      |6451      |6461      |6471      |6481
AAGAGACCAAGCAAGTTTTGAGACTCAGTCTGACAGAGTTCTCATTACCCAAATTTTACT
      E  T  K  Q  V  L  R  L  S  L  T  E  F  S  L  P  K  F  Y  L
                        |2151                                |2161

      |6491      |6501      |6511      |6521      |6531      |6541
TGCTGTTTGGCATTAGCAAAGTCAAGTCAGCTGCTGTCATTGCCTTCCGTTCCAGTTACC
      L  F  G  I  S  K  V  K  S  A  A  V  I  A  F  R  S  S  Y  R
                        |2171                                |2181

      |6551      |6561      |6571      |6581      |6591      |6601
GGGACAGGTCATTCTCTCCTGGCTCCTATGAGAGAGAGACTTTTGCTTTGACATCCTTGG
      D  R  S  F  S  P  G  S  Y  E  R  E  T  F  A  L  T  S  L  E
                        |2191                                |2201

      |6611      |6621      |6631      |6641      .      .      .      .
AAACAGTCACAGAAGCTTTGTTGGAGATCATGGAGgtatagaagccaaaatgataagaaa
      T  V  T  E  A  L  L  E  I  M  E
                        |2211

. . . . .
ctaagttaaaatctTTTTTTTaaaaatatgttaatactatatagaagaaatattggtttat

. . . . .
tgtgctatTTTgtacttaatgcttaaataaaaa

```

Exon 44 | Start: 247843 | End: 247904 | Length: 61
BE AWARE: Flanking intron is shared with both adjacent exons

.
cacttgcacatggactgtgttattggtaacaggtcacttaatgacatcataataaacattat
.
ttaaacagttcctaaaaacatttatgtacaatatgtattcagagtatccccttttttagGC
A

 |6651 |6661 |6671 |6681 |6691 |6701
ATGCATGAGAGATATTCCAACGTGCAAGTGGCTGGACCAGTGGACAGAACTAGCTCAAAG
 C M R D I P T C K W L D Q W T E L A Q R
 |2221 |2231

.
gtatgtcctaaattaaatataagttgtaaaaaatatgcatattgttgaaaatacagctatt
. .
actgtatgatca

Exon 45 | Start: 248049 | End: 248163 | Length: 114
 BE AWARE: Flanking intron is shared with the previous exon

```

. . . . .
atgttataatTTattatttagtatatatataaacacaaaggTTTTtataagttctgtggatc

. . . |6711 |6721 |6731 |6741 |6751
ttttaattgcagATTTGCATTCCAATATAATCCATCCCTGCAACCAAGAGCTCTTGTGTG
      F A F Q Y N P S L Q P R A L V V
                        |2241 |2251

      |6761 |6771 |6781 |6791 |6801 |6811
CTTTGGGTGTATTAGCAAACGAGTGTCTCATGGGCAGATAAAGCAGATAATCCGTATTCT
      F G C I S K R V S H G Q I K Q I I R I L
                        |2261 |2271

. . . . .
TAGCAAGgtacctgttccgccctcacttctcccaaataTTtatggttctcaagttgtaaa
S K

. . . . .
gcataTctttcatttttctaaaagacgtttaaaatttgaggTcaatgaaatatcttatatg

. . . . .
ttacttattaagcctttaaaatgtatTTtgattatttattgtaattctttgaagaagtct

. . . . .
tctctaaagaagctgtctttatatgtaaactctgattacttcattaaggaagatgtcttt

. . . . .
aaaataaaatatgttgcctcttttgctaagcaggtacacttagtatTTtaccagttttca

. .
aagcatt

```

Exon 46 | Start: 248728 | End: 248829 | Length: 101

```
. . . . .
aggtacacttagtatTTTaccagTTTTcaaagcatttaattatatggtaagactatagcc

. . . . .
ttgcataaaaattatttaatttgtaattactataataatgtctgactcttataatgtagaa

. . . . .
atgtcaaaaaataagaaaacaaatgtacattaagctagctaccaagatcaccatagcatg

. . . . .
agaaatcattctagcatttattaaataagtaaagttcctgaattcattccgagattcag

. . . . .
ttaggaggttaatgttttatttcaatgaaagtaaaataaaaaattctgttttcctaaaag

|6821      |6831      |6841      |6851      |6861      |6871
GCACTTGAGAGTTGCTTAAAAGGACCTGACACTTACAACAGTCAAGTTCTGATAGAAGCT
A  L  E  S  C  L  K  G  P  D  T  Y  N  S  Q  V  L  I  E  A
                        |2281                                |2291

|6881      |6891      |6901      |6911      |6921.      .
ACAGTAATAGCACTAACCAAATTACAGCCACTTCTTAATAAGgtaattactgtatagaaa
T  V  I  A  L  T  K  L  Q  P  L  L  N  K
                        |2301

. . . . .
atgagtgcattcattttgggtatcagtggtgaatgttactttcttcaaagagtttagaa

. . . . .
aataagatgaattgagaataagttataaagaaaaaactatagttaaagtagaacctctta

. . . . .
aagtttagttgtttgaagtagtcataattagaagaagagtaagtatggatagtatgttctc

. . . . .
aagcgcttgtaagtttttggctcatcagtgctaaaggaaagataggtatatattcttaa

. . . . .
ttattttatcttataactattaattatctgctattgccaaagt
```

Exon 47 | Start: 250529 | End: 250669 | Length: 140

.
tgacaaaagatacaaaagagactactctagaagaatcaacaaaccttggtgactggattt

.
agaaatcaaagaacagggagaagtcaaaggaggtgctaagtaacgttctcagtccagcta

.
acagtgtcttttagttatacatatggaaaagtgaagagcttactcatatctttatcttccc

.
caaaagagaaaacatgggtaatttaggaagataagctgctttatttttaactgcagtgtg

.
ttttgaaagagactatgtcatgattcatcttactagcctcaaacatatcttctttgccag

 |6931 |6941 |6951 |6961 |6971 |6981
GACTCGCCTCTGCACAAAGCCCTCTTTTGGGTAGCTGTGGCTGTGCTGCAGCTTGATGAG
D S P L H K A L F W V A V A V L Q L D E
 |2311 |2321

 |6991 |7001 |7011 |7021 |7031 |7041
GTCAACTTGTATTTCAGCAGGTACCGCACTTCTTGAACAAAACCTGCATACTTTAGATAGT
V N L Y S A G T A L L E Q N L H T L D S
 |2331 |2341

 |7051 |7061
CTCCGTATATCAATGACAAGgtaagcaaactttgccttgagggttccttagattactcaaa
L R I F N D K
 |2351

.
ttagtactcttccatcttttcttggtgctattcttttaaaatcacaagaagtccataac

.
ttaagtaggaatttgtataatgtaacttattgtgagtatatttccttaccagctcataaa

.
gaactatgtaaacttgaatgcataattttttacataaaaaatagcaaaaaaaaaaaaaacaaa

.
aaaaaaacagtactggcctaatactagtagaattacagaataaggataaataatacatga

.
tcatccttacagaatgagcat

Exon 48 | Start: 253033 | End: 253159 | Length: 126

.
tcagagttaataagcatgttaaaagtcaccgggatgtaaattgacagtcatttattttgt

.
attgtaaataaaagtgatttcattccaccatcttcttatttatatgcttgactgtctt

.
gcaccagttaattttagtagctaaaatgttctgtggttttctgcagtcactgaaaata

.
atttctctcaaattgaaaggattacttatcttgtcatactattgaacacaaaattaagtg

.
agcctttaaagaaagctactgtgtgaacctcatcaaccatctcatgattatctttaatag

 |7071 |7081 |7091 |7101 |7111 |7121
AGTCCAGAGGAAGTATTTATGGCAATCCGGAATCCTCTGGAGTGGCACTGCAAGCAAATG
S P E E V F M A I R N P L E W H C K Q M
 |2361 |2371

 |7131 |7141 |7151 |7161 |7171 |7181
GATCATTTTGTGGACTCAATTTCAACTCTAACTTTAACTTTGCATTGGTTGGACACCTT
D H F V G L N F N S N F N F A L V G H L
 |2381 |2391

.
TTAAAAGgtaaaaaagccttatttagaatatttttatgaagtactattaagaaaccagaa
L K G

.
gtaatttgaataagtgattacttgaaataaattgaagtaagttagcccttatgtcttact

.
ttaaatgcaaactaggccaggcgtggtggctcacgtctgtaataccaacattttgggagg

.
ctgaggcaggaggatcacttgaggctaggagttaggagccagcctgggcaacatagtgag

.
acttcatctctacagaaaatttaaaaattagccaggcatggtggcacgtgctttagtcc

. . .
cagctac

Exon 49 | Start: 259144 | End: 259275 | Length: 131

```
. . . . .
tgctttagggaatagaagatctgaaagactatcatgttttttaattttcctcttcctgga

. . . . .
gtactgtagagttctagggaatattatattctacacatttttggtagtctaattctataca

. . . . .
taattaattattctcattcacatatgcatgttttaccttcccaaaggctattcttgga

. . . . .
agtaggagttatatttcctttccttgagagttgtagtcaggaagaagacctcagcag

. . . . .
atgcttggtcaaaaaattaattcttacttgtttggttggttggttggttggttggttag

|7191      |7201      |7211      |7221      |7231      |7241
GGTACAGGCATCCTTCACCTGCTATTGTTGCAAGAACAGTCAGAATTTTACATACACTAC
  Y  R  H  P  S  P  A  I  V  A  R  T  V  R  I  L  H  T  L  L
      |2401                      |2411

|7251      |7261      |7271      |7281      |7291      |7301
TAACTCTGGTTAACAAACACAGAAATTGTGACAAATTTGAAGTGAATACACAGAGCGTGG
  T  L  V  N  K  H  R  N  C  D  K  F  E  V  N  T  Q  S  V  A
      |2421                      |2431

|7311      |7321. . . . .
CCTACTTAGCAGgtaaaaacacaaaataaacaataatcttgctacatctatatataa
  Y  L  A  A
      |2441

. . . . .
ggatcacccaaaagtacaaatacctataggttttttggcggttgcgtaggcagagcagaa

. . . . .
agttcacagtctagtccttttagtggtggttacaattttgagagttttgccagaacatttt

. . . . .
tctgtaggaaaaaatttaattcccattaaaatctgaaatgtgttccttggtcatctttg

. . . . .
gttcaagacactacagtggtctctgttatctgtcataaaatctgaatgcttcagtctag

. . . . .
caccctgggtcc
```

Exon 50 | Start: 260207 | End: 260342 | Length: 135

.
tgtttgaaccgtatcatcttgagcaaatcatttaacatctcagtatTTTTTctcattcag

.
cttaataatacctgccctgcctactttgtggttgtaaagatcaaagtatatattaagaa

.
cttggaataaaaagatgcttattaaatctctctgtatatTTTcacatttatgtagtcttc

.
caaaatatgtgcacatttaacaggtactatgctctttaggagactgtaagaagttcatcc

.
tgttttaagtcacacttgatgtgatttgtaaattTTTtaacctgccaccgttttccttttag

7331	7341	7351	7361	7371	7381
CTTACTTACAGTGTCTGAAGAAGTTCGAAGTCGCTGCAGCCTAAAACATAGAAAAGTCAC					
L	L	T	V	S	E
E	V	R	S	R	C
S	L	K	H	R	K
S	L				
		2451			2461

7391	7401	7411	7421	7431	7441
TTCTTCTTACTGATATTTCAATGGAAAATGTTCCCTATGGATACATATCCCATTCATCATG					
L	L	T	D	I	S
M	E	N	V	P	M
D	T	Y	P	I	H
H	G				
		2471			2481

7451
GTGACCCCTTCCTATAGgtaagtggaatttactctcctataattacataatcataatcaagt	
D	P
S	Y
R	

.
ttcaattttccaactaatggaggcaagcagcagagtaatctagaaggtaacatgggagaa

.
atctagagatggcctaggaagagtaagtgaaactcattttataaatgtgtggtattttat

.
gtgggttagtaggaaagttattcttcagctctgattgtgctaattgtaacattagtttgc

.
ctctgaagcacagaccaaataaacaatgaaaagagatgctcttgaaaatattaggttgca

.
ggggaagggcctgggg

Exon 51 | Start: 262281 | End: 262438 | Length: 157

```
. . . . .
gctaagagattggacacccctgttgctatacctttttatttgtcagcttttaaaaattgc

. . . . .
agtacagatctttttgttcagcatttggtgagtacctactatgtgcaagatactatggca

. . . . .
agaaagttgataattcctagggatacaccaagagtttgtatcctaagccctttaaagtg

. . . . .
caattttaaaattaattgattgctgttgtaggaaataggacagccacttgggaaggagca

. . . . .
aacgatggttgtatttgtcaccatattaattgatttttctctattgttttcatctttcag

      |7461      |7471      |7481      |7491      |7501      |7511
GACACTAAAGGAGACTCAGCCATGGTCCTCTCCCAAAGTTCTGAAGGATACCTTGCAGC
  T  L  K  E  T  Q  P  W  S  S  P  K  G  S  E  G  Y  L  A  A
                |2491                        |2501

      |7521      |7531      |7541      |7551      |7561      |7571
CACCTATCCAAGTGTGCGCCAGACCAGTCCCCGAGCCAGGAAATCCATGAGCCTGGACAT
  T  Y  P  T  V  G  Q  T  S  P  R  A  R  K  S  M  S  L  D  M
                |2511                        |2521

      |7581      |7591      |7601      |7611      . . . .
GGGGCAACCTTCTCAGGCCAACACTAAGAAGTTGCTTGgttagtttatctaaattatgta
  G  Q  P  S  Q  A  N  T  K  K  L  L  G
                |2531

. . . . .
gattttttttattatttaaaaaaatagatatctttactcttggaattatttgaaattt

. . . . .
caggattatcaaaattttccatgtcagtgtagcaaagttttgatgccatttaaaagaga

. . . . .
gtttgatagatcagttaagcattataagttgagatagagaaatgagaatgggaccttgaa

. . . . .
acagttttttctgaatcttataactaaatattgtgactctccttattttgttttgcctttg

. . . . .
ctggccagcaggggaatgggactctgagacatattagat
```

Exon 52 | Start: 266484 | End: 266606 | Length: 122

```
. . . . .
atcatatTTgttgatttacctccagtgtagTTTgtttacctccaggtgtacagaatacaa
. . . . .
tctcagTTtaatttgaccagtaagggtgcaacctatcctgaaacagaaagctatgggaac
. . . . .
aaaaccTTtgagaagatggaaaataaaggaaagaaactgctccagggatgtattagagc
. . . . .
tttctTTgagtcctcagtgaaagcttaaacactTTtatgtccaaacattttctttttagt
. . . . .
tattcccatTTtatagacactgtagttaatgaacttgcatattcttaactTTTgtttatag
      |7621      |7631      |7641      |7651      |7661      |7671
GAACAAGGAAAAGTTTGTGATCACTTGATATCAGACACAAAGGCTCCTAAAAGGCAAGAAA
      T  R  K  S  F  D  H  L  I  S  D  T  K  A  P  K  R  Q  E  M
      |2541                        |2551
      |7681      |7691      |7701      |7711      |7721      |7731
TGGAATCAGGGATCACAACACCCCCCAAATGAGGAGAGTAGCAGAAACTGATTATGAAA
      E  S  G  I  T  T  P  P  K  M  R  R  V  A  E  T  D  Y  E  M
      |2561                        |2571

TGGgtgagaaacaaagtattgatctagatcattgaaaataagggtgggagagtacatgaaa
E
. . . . .
gtcatgTTtatTTTccagccatttcttagaatcttagagtgaaatatagaaacgtttgc
. . . . .
catttctcaaaagataaaactctaccattcaagacagttatcttgaagcttggtgaaaaat
. . . . .
taatcatatatattatatacagcattgtaaataggtagccaaaactTTTgtgtaggcgaa
. . . . .
tagtaattctctatgatgTTtatgTTtagtattTTtaagtatctactaaagaaagctgttga
.
att
```

Exon 53 | Start: 266984 | End: 267114 | Length: 130
BE AWARE: Flanking intron is shared with the following exon

```
. . . . .
atctcttagaatctttagagtgaatatagaaacgtttgccatttctcaaaagataaact

. . . . .
ctaccattcaagacagttatcttgaagcttgtgtaaaaattaatcatatatattatatac

. . . . .
agcattgtaaataggtagccaaaacttttgtgtaggcgaatagtaattctctatgatgtt

. . . . .
tatgttagtattttaagtatctactaaagaaagctgttgaattttagaagtaacattgaa

. . . . .
atagttagggtgaagtgattatccagggtgttgatcacgttaattccctatcttgctgcag

|7741      |7751      |7761      |7771      |7781      |7791
AACTCAGAGGATTCCTCATCACAAACAGCACCCACATTTACGTAAAGTTTCAGTGTCTG
T Q R I S S S Q Q H P H L R K V S V S E
|2581                                |2591

|7801      |7811      |7821      |7831      |7841      |7851
AATCAAATGTTCTCTTGATGAAGAAGTACTTACTGATCCGAAGATCCAGGCGCTGCTTC
S N V L L D E E V L T D P K I Q A L L L
|2601                                |2611

|7861
T T A C T G T T C T A g t a a g g a t t t c c c c t t t t t g a g t c c c c c a c c c t c a a a t t t t t a t t c c a g
T V L
|2621

. . . . .
tctacttttaggagggcccttaaataattaaaaacatgaat
```

Exon 54 | Start: 267293 | End: 267393 | Length: 100
BE AWARE: Flanking intron is shared with the previous exon

.
aggatacagtccttctacttctcacccaaacagataacaattcagccacaaagtaaaaatg

. |7871 |7881 |7891
ttgtgtgtttacttttttgcacatcttgccagGCTACACTGGTAAAAATATACCACAGATGAG
A T L V K Y T T D E
|2631

|7901 |7911 |7921 |7931 |7941 |7951
TTGATCAACGAATTCTTTATGAATACTTAGCAGAGGCCAGTGTTGTGTTTCCCAAAGTC
F D Q R I L Y E Y L A E A S V V F P K V
|2641 |2651

|7961
TTCCTGTGTgtaagtatctccttttgattttaattcaccttcgtgcctgtctttaagt
F P V V

.
taaagtcttaccagtaatgtgcactgggtgcaaagagggcaaaatgagatattgtgata

.
gtgatttttagctttgagacagtaggtttaatgagggttaagattagttttgacctactag

.
atctattagaaagtttataaggaaagacttttaaaaaatctggttgatttatttaagtgg

.
tttattttgatgatcattgctcattttcctcacttagaagcaaactattagactgctata

. . .
tctaaatcagc

Exon 55 | Start: 268504 | End: 268646 | Length: 142

```
. . . . .
ccttgtcctaagcaaacattttaccgtatatggttacacatggttatatgacactaccagt

. . . . .
tgtttgttttcacaattttcttccctggtgactaaaaacaaaagacaaacaaaaacagaca

. . . . .
cacacacatgttcattgtagaaaatttggaatatgaagaaatgccccagaaagtaaaaag

. . . . .
cactcatctccctttaattttggcacattattctggggaatgtatattatgttttccact

. . . . .
acataattttcatttaattttcctctaaaatgttcctctgttgacttttttttcttttag

|7971      |7981      |7991      |8001      |8011      |8021
GCATAATTTGTTGGACTCTAAGATCAACACCCTGTTATCATTGTGCCAAGATCCAAATTT
 H N L L D S K I N T L L S L C Q D P N L
      |2661                      |2671

|8031      |8041      |8051      |8061      |8071      |8081
GTTAAATCCAATCCATGGAATTGTGCAGAGTGTGGTGTACCATGAAGAATCCCCACCACA
 L N P I H G I V Q S V V Y H E E S P P Q
      |2681                      |2691

|8091      |8101      |8111      . . . . .
ATACCAAACATCTTACCTGCAAAgtaaataaatgtatctggagaaggatggttgatgaac
 Y Q T S Y L Q S
      |2701

. . . . .
ttgctaacatgcgcgctgtttagaatgcactgactacagaattctttataagggataga

. . . . .
cttgttcatactttttatttccatattccatttttttactctctcaactgtatgtccaatg

. . . . .
taactggttgacaactttttatgctgagtataattttaagtaggttttagttgctttgaca

. . . . .
ctcattctaaaaacatgttttcaacatgtacatagggtttatatatcatcagctatatga

. . . . .
cttattttaattttctgttacaatt
```


Exon 56 | Start: 268993 | End: 269039 | Length: 46

```
. . . . .
tgcgcgctggtgtagaatgcactgactacagaattctttataagggatagacttggtcat

. . . . .
acttttatttccatattccatttttttactctctcaactgtatgtccaatgtaactgggt

. . . . .
gacaactttttatgctgagtataattttaagtaggttttagttgctttgacactcattcta

. . . . .
aaaacatgttttcaacatgtacatagggtttatataatcatcagctatatgacttatttaa

. . . . .
tttctgttacaattaaaagataccttgcttggtataagagtaaaatttgatttggtgcag

      |8121      |8131      |8141      |8151      . . .
GTTTTGGTTTAAATGGCTTGTGGCGGTTTGCAGGACCGTTTTCAAAGgtaagaaaatata
  F  G  F  N  G  L  W  R  F  A  G  P  F  S  K
              |2711

. . . . .
tttttctctaacttttggcaaaatgaaggtttctgttcaaattagtatgcctgctttaag

. . . . .
aacacacaatgtgctgaaaaccagaaaaataattcacaataaacacatatgttactttta

. . . . .
taaaaagtttctcatcacaaggtttttttccaggaggcagcatggtggtggggtgtgtgt

. . . . .
attcactttttacaaacaaagtcaacttatgatcaatttttcagaagagtatgataaacct

. . . . .
ctgtgatacttttctgccacagtcacctgtgtatttgataatcttaa
```

Exon 57 | Start: 270511 | End: 270727 | Length: 216

```
. . . . .
ttggaaaattggctagacatcattcctggtgattgtattgtctcagtattacattcagtc

. . . . .
tgtcttgtgcatggctttcagaaaatgcaggttcatctggaagctttaagctgaatagaa

. . . . .
ctccctgttgtaagtcctatggtagctataaaatattactccactccccttttttaatga

. . . . .
taagtaatacaaaaggaagaaaaatagtaaattaagtccaaacaaaattaatatttttggc

. . . . .
ttcagatggggatttacttaaaaaaaaggaactaaaataatttcctattttccattacag

|8161      |8171      |8181      |8191      |8201      |8211
CAAACACAAATTCCAGACTATGCTGAGCTTATTGTTAAGTTTCTTGATGCCTTGATTGAC
Q  T  Q  I  P  D  Y  A  E  L  I  V  K  F  L  D  A  L  I  D
|2721                                |2731

|8221      |8231      |8241      |8251      |8261      |8271
ACGTACCTGCCTGGAATTGATGAAGAAACCAGTGAAGAATCCCTCCTGACTCCCACATCT
T  Y  L  P  G  I  D  E  E  T  S  E  E  S  L  L  T  P  T  S
|2741                                |2751

|8281      |8291      |8301      |8311      |8321      |8331
CCTTACCCTCCTGCACTGCAGAGCCAGCTTAGTATCACTGCCAACCTTAACCTTTCTAAT
P  Y  P  P  A  L  Q  S  Q  L  S  I  T  A  N  L  N  L  S  N
|2761                                |2771

|8341      |8351      |8361      |8371      . . . .
TCCATGACCTCACTTGCAACTTCCCAGCATTCCCCAGgtcagtaaatgtgatctttatat
S  M  T  S  L  A  T  S  Q  H  S  P  G
|2781                                |2791

. . . . .
gactttgagcaacaatataagacaccaacattaggaattcccttgtgatcagtttatagc

. . . . .
aaattttgctcctttttcttatgagattcaccttacatttcttctttaccttgtaactga
```

· · · · ·
cttgacttttggtattctatgaagctttctactttcaaacaagttgtacataagacagta
· · · · ·
aaatgttaaaatgtccacatgatattccaaggttgacaagttttagagtttgggcagga
· · · · ·
agagggaacttaaaacacattattctgtaagtgaacag

Exon 58 | Start: 284037 | End: 287701 | Length: 3664

.
ttttctgtgtagatatacaaatagtttagcattgtgttacaactacataaaagtacacaat
.
atggtaacctgctgtacaggtttgttgccctgggagaaacaggctataccatatagccttg
.
gtgtgtagtaggctatgctatctaagttcatgtaagtacactccacaatatttgcacaga
.
caaaatcgctaataatgattgtttcctagaatgtgtccccgttgtaagcgacacatgactg
.
caatgaaattcagtcctggaaggaaaagaagaagtaactggctgttctctttttctccag

|8381 |8391 |8401 |8411 |8421 |8431
GAATCGACAAGGAGAACGTTGAACTCTCCCCTACCACTGGCCACTGTAACAGTGGACGAA
I D K E N V E L S P T T G H C N S G R T
|2801 |2811

|8441 |8451 |8461 |8471 |8481 |8491
CTCGCCACGGATCCGCAAGCCAAGTGCAGAAGCAAAGAAGCGCTGGCAGTTTCAAACGTA
R H G S A S Q V Q K Q R S A G S F K R N
|2821 |2831

|8501 |8511 |*1 |*11 |*21 |*31
ATAGCATTAAGAAGATCGTGTGAAGCTTGCTTTCTTTTTTAAAATCAACTTAACAT
S I K K I V *
|2841

|*41 |*51 |*61 |*71 |*81 |*91
GGGCTCTTCACTAGTGACCCCTTCCCTGTCCTTGCCCTTTCCCCCATGTTGTAATGCTG

|*101 |*111 |*121 |*131 |*141 |*151
CACTTCCTGTTTTATAATGAACCCATCCGTTTGCCATGTTGCCAGATGATCAACTCTTC

|*161 |*171 |*181 |*191 |*201 |*211
GAAGCCTTGCCTAAATTTAATGCTGCCTTTTCTTTAACTTTTTTTCTTCTACTTTTGGCG

|*221 |*231 |*241 |*251 |*261 |*271
TGTATCTGGTATATGTAAGTGTTTCAGAACAACTGCAAAGAAAGTGGGAGGTCAGGAAACT

*281	*291	*301	*311	*321	*331
TTTAACTGAGAAATCTCAATTGTAAGAGAGGATGAATTCTTGAATACTGCTACTACTGGC					
*341	*351	*361	*371	*381	*391
CAGTGATGAAAGCCATTTGCACAGAGCTCTGCCTTCTGTGGTTTTCCCTTCTTCATCCTA					
*401	*411	*421	*431	*441	*451
CAGAGTAAAGTGTTAGTCCTATTTTATACATTTTTCAAGATACAAGTTTATGAGAGAAATA					
*461	*471	*481	*491	*501	*511
GTATTATAACCCAGTATGTTTAATCTTTTAGCTGTGGACTTTTTTTTTTAACCGTACAAA					
*521	*531	*541	*551	*561	*571
ACTGAAAGAACCATAGAGGTCAAGCCTCAGTGACTTGACACCATAAAGCCACAGACAAGG					
*581	*591	*601	*611	*621	*631
TACTTGGGGGGGAGGGCAGGGAAATTTTCATATTTTATAGTGGATTCTTAAGAAATACTAA					
*641	*651	*661	*671	*681	*691
CACTTGAGTATTAGCAATAATTACAGGAAAATAAGTGCGACCACATATATCTTAACATTA					
*701	*711	*721	*731	*741	*751
CTGAATTAAAACTATGGCTTCTAAGTCCTTATCCAAACTCAGTCATCCAAACTAGTTTAT					
*761	*771	*781	*791	*801	*811
TTTTTCTCCAGTTGATTATCTTTTAATTTTTTAATTTTGCTAAAGGTGGTTTTTTTTGTGT					
*821	*831	*841	*851	*861	*871
TTTGTTTTTGTAAACCAAACTATACTAAGTATAGTAATTATATATATATATATATTTTT					
*881	*891	*901	*911	*921	*931
TTCCCCCTCCCCCTCTTCTTTCTTAACCTAATTCTGAGCAGGGTAATCAGTGAACAAAGTGT					
*941	*951	*961	*971	*981	*991
TGAAAAATTGTTCCAGAAGGTAATTTTCATAGATGTTTGCATTAGCTCCATAGCAAAATG					
*1001	*1011	*1021	*1031	*1041	*1051
GAATGGTACGTGACATTTAGGGTAGCTGATATTTTTATTTTGTTAAATAATTTCCAAGAA					
*1061	*1071	*1081	*1091	*1101	*1111
TAGAGTATGGTGTATATTATAAAATTTCTTTGATAAGATGTATTTTGAATGTCTTTTAATC					
*1121	*1131	*1141	*1151	*1161	*1171
TTCTCTCTCTCTCCAAAAAATCAGAAACCTCTTTAAGAAAACATGTAGGTTATATATG					

|*1181 |*1191 |*1201 |*1211 |*1221 |*1231
 CTAGAATTGCATTTAATCACTGTGAAAAGACTGGTCAGCCTGCATTAGTATGACAGTAGG

|*1241 |*1251 |*1261 |*1271 |*1281 |*1291
 GGGGCTGTTAGAATTGCTGCTATACTGGTGGTATGGATTATCATGGCATTGGAATTTTCA

|*1301 |*1311 |*1321 |*1331 |*1341 |*1351
 TAGTAATGCAGATCCAATTTCTTTGTGGTACCTGCAGTTTACAAAATAATTTGACTTCAG

|*1361 |*1371 |*1381 |*1391 |*1401 |*1411
 TGAGCATATTGGTATCTGGATGTTCCAATTTAGAACTAAACCATATTTATTACAAAAAGA

|*1421 |*1431 |*1441 |*1451 |*1461 |*1471
 TATTAATCCCTCTACTCCCAGGTTCCCTTTATATGTTAAGATATAATGGCTTTGAGGGGG

|*1481 |*1491 |*1501 |*1511 |*1521 |*1531
 GAAAAAATAAACCTAGGGGAGAGGGGAGTTTCCTGTAGTGCTGTTTCATTAGAGGATTTTC

|*1541 |*1551 |*1561 |*1571 |*1581 |*1591
 AGTAAATTAAATTCCACAGCTAATTCAATAAATAATGGTACATTTAAGTGTTCTGATTTT

|*1601 |*1611 |*1621 |*1631 |*1641 |*1651
 AATAATATATTTACATTTATCCACACAGTAACAATGTAATATGTTAATGTAAATAAAAT

|*1661 |*1671 |*1681 |*1691 |*1701 |*1711
 TGGTTTTGATACTCAGAAATAACAAGAATTTAATTTTTTAAATTTGTTTACAGTCCTGGG

|*1721 |*1731 |*1741 |*1751 |*1761 |*1771
 AAAAGTAAGAATTATTTGCCAAAATAAGAGGAAAGAAAACCTTAGTATTATTAATGAGTT

|*1781 |*1791 |*1801 |*1811 |*1821 |*1831
 TACCATAGAATTGTTGGAAATACTGAAGACAGGTGCAATTTACTAACTTTTGTTTTTAA

|*1841 |*1851 |*1861 |*1871 |*1881 |*1891
 ACTATTGTAGAGGCTGCATTAGAAGAAAATGTTTATAATGACAGAGCAACTATGACTATA

|*1901 |*1911 |*1921 |*1931 |*1941 |*1951
 TAAAAAAGCTGAAATTAGAACTGTGTTTAGAAATAGATCAGTAACCCAGTGCCAAGGATG

|*1961 |*1971 |*1981 |*1991 |*2001 |*2011
 CCAAGCTGCCACCATGGTCTTGGCTCTCCACAACCCAGTGTTCCTGGGGTAAGTTTCAC

|*2021 |*2031 |*2041 |*2051 |*2061 |*2071
 AGTTTCTAGGCCCTGGAATAGCAGGCAGTGTAAGCCTTTGATAACTTTAGTTTCGATGTTT

|*2081 |*2091 |*2101 |*2111 |*2121 |*2131
 TTCTTGTTTTGTTTGGTTTGGTGCATATGATAGTGGGTGTTATGCTATTTTGCTCT

|*2141 |*2151 |*2161 |*2171 |*2181 |*2191
 TCCCATCAAAATAAAGAACTTCCAGAGGTTTACTGTTAAAAATACTGATATTTCCATAA

|*2201 |*2211 |*2221 |*2231 |*2241 |*2251
 ACGGGTTTACCAAGGGTGTAGTATTTCATACCGCCTGAAATGATCAGCATTGGCACAAAT

|*2261 |*2271 |*2281 |*2291 |*2301 |*2311
 CAAAATTCAGCCGCCTTTGAAATGCAAAAATACCTTTGACTAGTAAGTACATCCTAGGAG

|*2321 |*2331 |*2341 |*2351 |*2361 |*2371
 TTTGAAACTTAACTAAGGTTTAAAATTTACCTTGTTTAAAGAACTTCTGACTTTTGAGG

|*2381 |*2391 |*2401 |*2411 |*2421 |*2431
 AAAATCTAGCTTTCCAAGTAACTAAAATGTACATGAGATAAACCTCTCACCCTATGTGT

|*2441 |*2451 |*2461 |*2471 |*2481 |*2491
 CCCTTGAGAAATGCAACACTTTTTTAGTCTTCATACTTGTAATCTATAAAAGAAATTCGTG

|*2501 |*2511 |*2521 |*2531 |*2541 |*2551
 AAGTTTAGACCAAGTTGCCCATTCTGCGTAATTGACATAAGTTCTGTTAAAAATATTAT

|*2561 |*2571 |*2581 |*2591 |*2601 |*2611
 AAGTAATTCGTTTCGGTTTGTAGATGTTTCCCCTGACTTGTTAAAGAGGAAACCAGGAAC

|*2621 |*2631 |*2641 |*2651 |*2661 |*2671
 TCAGTCATGTTTTGTCTGGATAATCTACCTGTTATGCCAGTACTCCCATCCGAGGGGC

|*2681 |*2691 |*2701 |*2711 |*2721 |*2731
 ATGCCCTTAGTTGCCAGATGGAGATGCAGTTCAGTAGATTTGGGGCAAAGTGGCTACAG

|*2741 |*2751 |*2761 |*2771 |*2781 |*2791
 CTCTGTCTTCCATTCACTCAACACCTGTTTCATGACTGAGCCAGGTGCCAGGACACATCC

|*2801 |*2811 |*2821 |*2831 |*2841 |*2851
 TAAACAGTCAGCTTCTATCCTGTGTCCTAGTTGGGGAGACAGAGTGCCAGCCAGCAACCC

|*2861 |*2871 |*2881 |*2891 |*2901 |*2911
 TCCCAGGTTTGTAGGTTTTAGGGGTTTTTCAGTTTTGTTTGGGTTTTTTGTTTTTTGTTTT

|*2921 |*2931 |*2941 |*2951 |*2961 |*2971
 TGTTTCTACATCCTTCCCCGACTCCCAGGCATAATGAGGCATGTCTTACTCAATGTTATG

|*2981 |*2991 |*3001 |*3011 |*3021 |*3031
 CAATGGATTTAGGCAAAAATTCATTCTTAGTGTGTCAGCCACACAATTTTTTTTAATGCAGT

|*3041 |*3051 |*3061 |*3071 |*3081 |*3091
 ATATTCACCTGTAAATAGTTTGTGTAAAAATTTGACAAAAAAGTATATTTACTATACTGT

|*3101 |*3111 |*3121 |*3131 |*3141 |*3151
 AAATATATGTGATGATATATTGTATTATTTTGCTTTTTTGTAAAGCAGTTAGTTGCTGCA

|*3161 |*3171 |*3181 |*3191 |*3201 |*3211
 CATGGATAACAACAAAAATTTGATTATTCTCGTGTAGTATTGTTAACTTCTTTTTGCGA

|*3221 |*3231 |*3241 |*3251 |*3261 |*3271
 CTGCGTTACATCATTTAAAGAAAAATGCTGTGTATTGTAAACTTAAATTGTATATGATAAC

|*3281 |*3291 |*3301 |*3311 |*3321 |*3331
 TTACTGTCTTTCCATCCGGGCCTAAACTTTGGCAGTTCCTTTGTCTACAACCTTGTTAA

|*3341 |*3351 |*3361 |*3371 |*3381 |*3391
 TACTGTAAACAGTTGTACGCCAGCAGGAAAAATACTGCCCAACAGACAAAATCGATCATT

|*3401 |*3411 |*3421 |*3431 |*3441 |*3451
 GTAGGGGAAAAATCATAGAAATCCATTTAGATCTTTATTGTTTCCTCACCCCATTTTCCTC

|*3461 |*3471 |*3481 |*3491 |*3501 |*3511
 CTTGTGTATGTACTTCCCCCACCCCTTTTTTTAAGTAAAATGTAAATTCAATCTGCTC

|*3521.
 TAAGAtatgaggagtattttaatttcttcagatgtatcgagctctgttttcttcccccg

.
 agtcctccaatcttttgaaacattaaggccattttccttaaggatgttttggctctcc

.
 tactccccgtgagaaagatctttccatttccagaacttctccacactaaaagtgaaatat

.
 ttttgtgaaatgcttttttagggcctgccaaactcaggtgagtctgttctctgggataag

.
 ctggcttctcttaaaatgaagccagtcagaaatgtcagggcatccaagattgaccagtc

.
 agagg

LRG Parser: Version: 1.1, Version Date: 11/02/2015
Reader: Version: 1, Version Date: 11/02/2015
Writer: Version: 1, Version Date: 11/02/2015
Control: Version: 1, Version Date: 11/02/2015