

Gene: APC - Sequence: NG_008481.4
Transcript: NM_000038.4 - Protein: NP_000029.2
Date : March 2, 2015

1st line: Base numbering. Full stops for intronic +/- 5, 10, 15...
2nd line: Base sequence. lower case Introns, upper case Exons
3rd line: Amino acid sequence. Printed on FIRST base of codon
4th line: Amino acid numbering. Numbered on 1st and increments of 10

Exon 2 | Start: 50339 | End: 50405 | Length: 66

```
. . . . .
ttgtgctaatccttctgccctgcggacctccccgactctttactatgcgtgtcaactgc

. . . . .
catcaacttccttgcttgctggggactggggccgcgagggcataacccccgaggggtacgg

. . . . .
ggctagggctaggcaggctgtgcggtggggcgggccctgtgccccactgcggagtgcgg

. . . . .
gtcgggaagcggagagagaagcagctgtgtaatccgctggatgcggaccagggcgctccc

. . . . .
cattcccgtcgggagcccgccgattggctgggtgtgggcgcacgtgaccgacatgtggct

      |-79      |-69      |-59      |-49      |-39      |-29
GTATTGGTGCAGCCCGCCAGGGTGTCACTGGAGACAGAATGGAGGTGCTGCCGGACTCGG

      |-19 . . . . .
AAATGGGgtaggtgctggagccaccatggccaggcttgctgcggggggaggggggaaggt

. . . . .
ggttttccctcgcactgtcttaaacgatggcctttccttggcacaggggtccactgcagc

. . . . .
atgccaacagaggaggcaggggcgtcgtcccccgccccccactgcagcactggagatgg

. . . . .
atttcctgtacttcggatccagggtttttgacagaagaggaagaagggggaggggtagaa

. . . . .
gtgttaaggggagtctgctgagaaaagctgtttttgaagccagaaggggtttttgttttt

. .
ataatgc
```

Exon 4 | Start: 67353 | End: 67505 | Length: 152

.
ccttgaagaaattattacttgatagaaagttaaataccatctgtgagaaggcaaagtatt

.
cagacacaactaaagttctctcttctattttaatttcatttatcttgaactaagactcca

.
ctgtttcatcctcttagatgctgctacttgaacaatattgttttgagacaaaaactagc

.
atattaacacaattcttcttaaacgtcttaagagttttgtttcctttacccctttcttta

.
aaaacaagcagccactaaatttttagtagtgaatttcaaaatcctttttaaccttatag

 |-9 |1 |11 |21 |31 |41
GTCCAAGGGTAGCCAAGGATGGCTGCAGCTTCATATGATCAGTTGTTAAAGCAAGTTGAG
 M A A A S Y D Q L L K Q V E
 |1 |11

 |51 |61 |71 |81 |91 |101
GCACTGAAGATGGAGAACTCAAATCTTCGACAAGAGCTAGAAGATAATTCCAATCATCTT
A L K M E N S N L R Q E L E D N S N H L
 |21 |31

 |111 |121 |131
ACAAAAGTGGAACTGAGGCATCTAATATGAAGgtatcaagactgtgacttttaattgta
T K L E T E A S N M K
 |41

.
gtttatccatttttattcagtattccctcttgtaaacttgaggtaagacactttacttaa

.
aagtgtatttttaaattaagcaataatatgtaaactctttcttgcaaaagttagcatttat

.
atttttaaataagatatattgaattcattcagtgaatcatataaagaaaataagtgtaaa

.
actccaatggctagttagttcttagttctttttaagattaaagagaagagaccaaata

.
gcatcactgtactgaggcaaggttttctgtgta

Exon 5 | Start: 78806 | End: 78890 | Length: 84

```
. . . . .
ctgaaaaatgagaataatttgcattggtggttttaggttgaaataatgaatgtatctt

. . . . .
aaatgtgtttctaataccttgcacagagactccccataatcaccattatctcaaaatac

. . . . .
actattattatttggccatgatttatttattaataatgaataataggtaatatataag

. . . . .
gtgctgtctttgagagtgatctgaatTTTTTctcagcatacttaaagtcaagaaatac

. . . . .
agaatcatgtcttgaagttatttagaatttcatgttaatatattgtgttctttttaacag

      |141      |151      |161      |171      |181      |191
GAAGTACTTAAACAACACTACAAGGAAGTATTGAAGATGAAGCTATGGCTTCTTCTGGACAG
E  V  L  K  Q  L  Q  G  S  I  E  D  E  A  M  A  S  S  G  Q
                |51                      |61

      |201      |211      . . . . .
ATTGATTATTAGAGCGTCTTAAAGgtagatTTTAAAAagggtgtttTAAaataattttt
I  D  L  L  E  R  L  K  E
                |71

. . . . .
aagctcaaattgtcatctttagggtgtgtagatccaagtacagcttctctcgatttgggtg

. . . . .
ttggtatcagttttcttggtatgttagccttaccctcaggatgtaattgttaaagtacaa

. . . . .
ataaataaaaaatgtatttgtgtgtcatttcttcagttaaacatttaactggctttgaat

. . . . .
gaactatTTTaaatccctcccttaaataattttcggctctttgtaaagcttggtgctatt

. . . . .
ctgccagtcactaaatagggttta
```

Exon 6 | Start: 79669 | End: 79870 | Length: 201

```
. . . . .
gagaaagtgcttgataataattgaagccagacagagaaattacttttggattctaaaata

. . . . .
ttatttagaggaagtctaaggaagtacattttatctaattttcctttaacacactcctta

. . . . .
tttttaccctgaccaagtggacttttcagggaaagtcctaaataatttttgttttcagt

. . . . .
catgtatatttgtggttaaaatgtaaacctaataatttcactttaaaataatataacatta

. . . . .
agaatattttagactgcttaaagcaattgttgataaaaaacttgtttctattttatttag

|221      |231      |241      |251      |261      |271
AGCTTAACCTAGATAGCAGTAATTTCCCTGGAGTAAAACTGCGGTCAAAAATGTCCCTCC
  L  N  L  D  S  S  N  F  P  G  V  K  L  R  S  K  M  S  L  R
           |81                      |91

|281      |291      |301      |311      |321      |331
GTTCTTATGGAAGCCGGAAGGATCTGTATCAAGCCGTTCTGGAGAGTGCAGTCCTGTTC
  S  Y  G  S  R  E  G  S  V  S  S  R  S  G  E  C  S  P  V  P
           |101                     |111

|341      |351      |361      |371      |381      |391
CTATGGGTTCATTTCCAAGAAGAGGGTTTGTAAATGGAAGCAGAGAAAAGTACTGGATATT
  M  G  S  F  P  R  R  G  F  V  N  G  S  R  E  S  T  G  Y  L
           |121                     |131

|401      |411      |421      .      .      .      .      .      .
TAGAAGAACTTGAGAAAGAGAGgtaacttttcttcatatagtaaacattgccttgtgtac
  E  E  L  E  K  E  R
           |141

. . . . .
tccagtttattgttattttgtaatataatatttaaattgtgaatttatagtaggtgatag

. . . . .
ctaacacttagagcatttttgcatttttaaaactcaaagatagcatgttattgattgcactt
```

.
acattaaatctaaaaatataaacaaggccgtttcctgggattctgaagacctatttgtc

.
acttattttgtttttttgtttgtttttggggtttattttgagacaggggtgtcactgtgt

.
ctcccaggctggagtgtagtgg

Exon 7 | Start: 88109 | End: 88217 | Length: 108

```
. . . . .
acctatcattatattcttagactataaatatgaagaaagcctttggtgaagtgtaagtat

. . . . .
tcttttaaggatgattaccagtttatttagaaaaaagttctttttaatactctaatttt

. . . . .
aatgactgtaatatctaaagtcctacctttaaaaattgaaatcaatgtaaattttttgag

. . . . .
taattcattattagcactttaggtagagaagtttgcaataacaactgatgtaagtattgc

. . . . .
tcttctgcagtccttatttagcattgtttaaacgtaccttttttaaaaaaaaaaaaatag

      |431      |441      |451      |461      |471      |481
GTCATTGCTTCTTGCTGATCTTGACAAAAGAAGAAAAGGAAAAAGACTGGTATTACGCTCA
  S  L  L  L  A  D  L  D  K  E  E  K  E  K  D  W  Y  Y  A  Q
                        |151                                |161

      |491      |501      |511      |521      |531 . . .
ACTTCAGAATCTCACTAAAAGAATAGATAGTCTTCCTTTAACTGAAAATgtaagtaactt
  L  Q  N  L  T  K  R  I  D  S  L  P  L  T  E  N
                        |171

. . . . .
ggcagtacaacttatttgaaactttaataacttgatattttaaagtacctaggtaatcca

. . . . .
ttaaattcaggataactgaatttatagttatttgtaaattgcaatatgttttaccacac

. . . . .
tttaggcctgaatatataatagttaatgaatttttggtgtaagatgataaaactttat

. . . . .
tgtgctcaaatgttttatttaaaagctcttatttagaaaatctataaagtttgaattctag

. . . . .
aggacctcagggttcaactaggcaactagttttttaactccgtgtattg
```

Exon 8 | Start: 93270 | End: 93383 | Length: 113

```
. . . . .
t t t a a c c t c a c t c t a a c t g g a c c a a t t a t a t a t t t t a a g t g a a a t a g g c c a a t c t a a t t a
. . . . .
a a g c c a c t t g t g a c t t t g g c a a a t a a g t g t t t g a a t t c c a c g t c a c a t c a g g g a t c c a g a
. . . . .
t t g a g t c t g a c a c c t a t a a t c a a a t t t a a c a c t c c t t g g a g t a a a a a t a a t t t t c t c a
. . . . .
t g c a c c a t g a c t g a c g t a t t t g c t t a t t c a t t t t c t t a t t g g t t c t t a t a t g c t t t t t
. . . . .
g c t t t t a c t g a t t a a c g t a a a t a c a a g a t a t t g a t a c t t t t t a t t a t t t g t g g t t t t a g

      |541      |551      |561      |571      |581      |591
TTTTTCCTTACAAACAGATATGACCAGAAGGCAATTGGAATATGAAGCAAGGCAAATCAGA
F  S  L  Q  T  D  M  T  R  R  Q  L  E  Y  E  A  R  Q  I  R
      |181                        |191

      |601      |611      |621      |631      |641      .
GTTGCGATGGAAGAACAACACTAGGTACCTGCCAGGATATGGAAAAACGAGCACAGGtaagt
V  A  M  E  E  Q  L  G  T  C  Q  D  M  E  K  R  A  Q
      |201                        |211

. . . . .
t a c t t g t t t c t a a g t g a t a a a a c a g c g a a g a g c t a t t a g g a a t a a a a t g a a t t a c a g c t c
. . . . .
t g t t a a t a t t g a t t a a a t t t t a t t a a a g a c a t a a g g c t g t g t t a t t t t g g c t c t a t t t c
. . . . .
a a a a t a a g a t t t a t c a t g g c t g c t g a g c a a c a t a a t c a a t a t t c a c a t a g t t g t g t c t t t
. . . . .
a c c a t a t t c a t t t c c c c t g g t a c t g t t c t g t t c t g c c t t g g a a t t a t a a g g g a g a g a c a g
. . . . .
a g t t a g a t g g t g g t c t t c c g g t a g c t a a t g a c t a g c t t c a g t t c t c c t t t g a a a
```

Exon 9 | Start: 104926 | End: 105009 | Length: 83

```
. . . . .
tgaggcaaaagaatcacttgaacccggaaggcggaggttgcggtgagctgagattatgcc

. . . . .
actgcactccagccagggcaacagagcgagactctgtctcgaaaaaaaaagaaaaaaga

. . . . .
aaagaaaaattgaactgaccccaatttggtattaaagggatgaatatatttatatgtctag

. . . . .
ctttttaaatgagaatgatttgacataaccctgagcttttaagtggtagccatagtatga

. . . . .
ttatttctattaatattattaataaaaaacataactaattaggtttcttgttttattttag

      |651      |661      |671      |681      |691      |701
CGAAGAATAGCCAGAATTCAGCAAATCGAAAAGGACATACTTCGTATACGACAGCTTTTA
R  R  I  A  R  I  Q  Q  I  E  K  D  I  L  R  I  R  Q  L  L
                |221                                |231

      |711      |721      . . . . .
CAGTCCCAAGCAACAGAAGCAGAGgttagtaaattgcctttcttgtttggtgggtataaaa
Q  S  Q  A  T  E  A  E
                |241

. . . . .
ataggtagttattctgagaaaagaaaacatgtataatttaatgtgacaccattgaaatat

. . . . .
agatgttctttcagagaatttaataaccgtaatttttttcgtgaaattaaattatcaaag

. . . . .
atttggaactattttgattttatctaacttttaggcaggttaaaatttataaaaactgtaaat

. . . . .
atagataccttacttttagctgtcagtttacatataatcaaatagttaacttaatttggtc

. . . . .
actatccagtaagtaaactttttt
```


Exon 10 | Start: 113759 | End: 113863 | Length: 104

```
. . . . .
ggttatgttcctgatagtaatgtgagcgcagctggttagaggatggcattcctgtgagtct

. . . . .
cagaaaaatcctttgtctcgtgcagctctaattgctcaagggacacacttcactttcccctt

. . . . .
accgagatagtcgaccgccaatcgactggaggttatgaagtgtaatacacagttccatg

. . . . .
cctttatcagctctgtataattgatgcattcagagctttaagcaaaaaaagaaaaaagc

. . . . .
cttgggctaagaaagcctacaccatttttgcatgtactgatgttaactccatcttaacag

|731      |741      |751      |761      |771      |781
AGGTCATCTCAGAACAAGCATGAAACCGGCTCACATGATGCTGAGCGGCAGAATGAAGGT
R S S Q N K H E T G S H D A E R Q N E G
|251                                |261

|791      |801      |811      |821      |831      . . .
CAAGGAGTGGGAGAAATCAACATGGCAACTTCTGGTAATGGTCAGgtaaataaattattt
Q G V G E I N M A T S G N G Q
|271

. . . . .
tatcatatttttttaaaattattttaaatatcagaaaagtatgaagcaagatggttctaaga

. . . . .
atgatctataaatcttacctattttcttagtcctgaatgcatatttcagaagcattcag

. . . . .
taccaatgtgctgtcatttctctttattatatcagcaataatgctgtaaggattttctag

. . . . .
atctattttctatagctatagattgtgtgtttatgttttagtctaaaatgattgtgagtag

. . . . .
ttttttttaataactctaagctgcatttttgattatgtatatgatt
```

Exon 11 | Start: 127975 | End: 128073 | Length: 98

```
. . . . .
tggttttattttatttagatctatgaaaaattactaccctagaatttcttcagtccttggt

. . . . .
taagtccattctgcagtttaatgctcatatgcaagaaactctcttttctttaagttttct

. . . . .
ctaaaacatacttagtaagcgtataggtaaaaaatattttgaacagttataatggtcata

. . . . .
cttttatgatgtatttaattgtttatcatacagacacttcatttggagtaccttaacatg

. . . . .
atgttatctgtatttacctatagtctaaattataccatctataatgtgcttaatttttag

      |841      |851      |861      |871      |881      |891
GGTTCAACTACACGAATGGACCATGAAACAGCCAGTGTTTTGAGTTCTAGTAGCACACAC
G S T T R M D H E T A S V L S S S S T H
      |281                        |291

      |901      |911      |921      |931      . . . . .
TCTGCACCTCGAAGGCTGACAAGTCATCTGGGAACCAAGgtaacagaagattacaaacc
S A P R R L T S H L G T K
      |301                        |311

. . . . .
tggtcactaatgccatgactactttgctaagacattcttggccagggtgcagtggtcaca

. . . . .
cctgtaatcccagcattttgggaggccaaggcaggtggatcacttgaggccaggagttca

. . . . .
agaccagcctgggcaacgtggcaaaaccccatctctactaaaaatacaaaaatttagcca

. . . . .
gtgtggtggcacacacctgtggtcccagctactcaggaggctgaggcatgagaatagttg

. . . . .
gaacccaggaggcagaggttgagtgagctgagattaca
```

Exon 12 | Start: 131446 | End: 131824 | Length: 378

.
aggcaaacagcactaacagtttgtagtgagtagtgcacataaacaattggtgatgatacatagatt
.
ctgtatattaccactcatactatttactcacataaacaattggtgatgatacatagatt
.
ttgaaataacactgattacttcatcctggaaagggtttccgggtttttgtttttttttg
.
gcggggggggttgtttgttttttagagttatagtaaataatcccattcatcacttaatt
.
ggtttttggttttgatattaaagtcgtaattttgtttctaaactcatttggcccacag

|941 |951 |961 |971 |981 |991
GTGGAATGGTGTATTGTTGTCAATGCTTGGTACTCATGATAAGGATGATATGTCG
V E M V Y S L L S M L G T H D K D D M S
|321 |331

|1001 |1011 |1021 |1031 |1041 |1051
CGAACTTTGCTAGCTATGTCTAGCTCCCAAGACAGCTGTATATCCATGCGACAGTCTGGA
R T L L A M S S S Q D S C I S M R Q S G
|341 |351

|1061 |1071 |1081 |1091 |1101 |1111
TGTCTTCCTCTCCTCATCCAGCTTTTACATGGCAATGACAAAGACTCTGTATTGTTGGGA
C L P L L I Q L L H G N D K D S V L L G
|361 |371

|1121 |1131 |1141 |1151 |1161 |1171
AATTCCCGGGGCGAGTAAAGAGGCTCGGGCCAGGGCCAGTGCAGCACTCCACAACATCATT
N S R G S K E A R A R A S A A L H N I I
|381 |391

|1181 |1191 |1201 |1211 |1221 |1231
CACTCACAGCCTGATGACAAGAGAGGCAGGCGTGAAATCCGAGTCCTTCATCTTTTGAA
H S Q P D D K R G R R E I R V L H L L E
|401 |411

	1241	1251	1261	1271	1281	1291
	CAGATACGCGCTTACTGTGAAACCTGTTGGGAGTGGCAGGAAGCTCATGAACCAGGCATG					
	Q I R A Y C E T C W E W Q E A H E P G M					
		421				431

	1301	1311
	GACCAGGACAAAAATCCAAgtatgttctctatatagtgtacatcgtagtgcacatgtttcaaag								
	D Q D K N P M								

.
caaatgtgaaatttttaaacagaaaacatgttttagttaatatgctgtctttatgactaag									

.
aggagaaaattcatatcagccatttgctgctactcatatttaaaagattaagtctgtattt									

.
ccctagaaaaatttagcaaaggaaaatgttatgtgcactactataagaacagtaagtcaa									

.
gagaaatttatacaatcatagcatagtagggccttagtagagctagaaagaacttgagca									

.	.	.	.
attatgttgcccatctttc			

Exon 13 | Start: 134376 | End: 134471 | Length: 95

```
. . . . .
caacataattttaagttattagctatatgagtaatagcataaacctcctagacttattct

. . . . .
aagagacttagtcaagggcagatgagtggtaaacatttttatggaaacaaatccctttat

. . . . .
tcctatTTTTTgttccacatttgtagtatTTTattcatcctttcagcaaataTTTgttgat

. . . . .
ccactaaaattccgtgaattagggttatatattagtgatccctgcatatTTTTtaaagtacaa

. . . . .
taaacatcattgctcttcaaataacaaagcattatggtttatgttgattttatttttcag

      |1321      |1331      |1341      |1351      |1361      |1371
TGCCAGCTCCTGTTGAACATCAGATCTGTCCTGCTGTGTGTGTTCTAATGAACTTTCAT
  P  A  P  V  E  H  Q  I  C  P  A  V  C  V  L  M  K  L  S  F
      |441                        |451

      |1381      |1391      |1401      . . . . .
TTGATGAAGAGCATAGACATGCAATGAATGAACTAGGtaagacaaaaatgttttttaatg
  D  E  E  H  R  H  A  M  N  E  L  G
      |461

. . . . .
acatagacaattactggtggatttttaaatcatggtagaaattcagtatagtaaataaag

. . . . .
atTTTtaatcattgatgaattaggatataaggccaccaacttctgttatcagctgcttcc

. . . . .
tctgtgtagcaaaaaattgtaccctggtttccagcatagaaaggatcctgaatcacagaa

. . . . .
actgctaccctgtcataagctaactTTTTTcaaaatcgaagccggagattgaaaaaaaaatg

. . . . .
acaaaaatgggtcactctttgtcccttttgccaaagt
```

Exon 14 | Start: 139588 | End: 139727 | Length: 139

```
. . . . .
cactgttggcaaggtgcagtgatatgcagtaaatagaaaataattatttcgctcagcaa

. . . . .
gataaggggctgggggtggagaaactggcataaaatggaataattgtcagttgtacttta

. . . . .
taaatatattatacagaagttctttataacagttttttagcttataaattctaaaggcaa

. . . . .
atttaaaccatatattctcattgattgagtttttttcttagtatttaagttaccaact

. . . . .
tggtaccagtttgttttatttttagatgattgtcttttctcttgccctttttaaattag

|1411      |1421      |1431      |1441      |1451      |1461
GGGACTACAGGCCATTGCAGAAATTATTGCAAGTGGACTGTGAAATGTATGGGCTTACTA
G L Q A I A E L L Q V D C E M Y G L T N
|471                               |481

|1471      |1481      |1491      |1501      |1511      |1521
ATGACCACTACAGTATTACACTAAGACGATATGCTGGAATGGCTTTGACAAACTTGACTT
D H Y S I T L R R Y A G M A L T N L T F
|491                               |501

|1531      |1541      . . . . .
TTGGAGATGTAGCCAACAAGgtatgtttttataacatgtatttcttaagatagctcaggt
G D V A N K
|511

. . . . .
atgagttaatttactttcatacaaatacattttactgattttcttttttttctactctcct

. . . . .
cattaaacaatgactgataaaaacctgtgcttcacattcgcttatctttactcatttggt

. . . . .
tgtcttatgcctaaacaaaggcaaaggtacatctacagatggaacacagtagtgaattta

. . . . .
tgtaattgcattaaaaacaccattcataagaataacttgtagggatcatttctgtgatc

. . . . .
cattactagagaagtttaac
```

Exon 15 | Start: 140409 | End: 140486 | Length: 77

```
. . . . .
tgttacacacacattgattccatccaaataagaggctttactctaaaacctgttgcttat

. . . . .
catttctcaccacttattcactttatttctctagtttgacaaaggaagaacagatagcaa

. . . . .
agaattaggagaatatgttcttttatttaggtaatcttattctagattttttatgagtg

. . . . .
aagtatcagttatgattaaaacaaaataatgaaaactgaattagacatttagtagccaaa

. . . . .
aataaagcttggttcaagttgtctttttaatgatcctctattctgtatttaatttacag

|1551      |1561      |1571      |1581      |1591      |1601
GCTACGCTATGCTCTATGAAAGGCTGCATGAGAGCACTTGTGGCCCAACTAAAATCTGAA
A T L C S M K G C M R A L V A Q L K S E
|521                                |531

|1611      |1621
AGTGAAGACTTACAGCAGgtactatttagaatttcacctgttttttcttttttctctttt
S E D L Q Q
|541

. . . . .
ctttgaggcagggctctcactctgtcaccaggcttagagggcagttgtgcaatctcagct

. . . . .
cactgcaacctctgcctccaggggtcaagcaatcctcccacttcagcctctcgaggctgg

. . . . .
gcctacaggtgcacaccaccatgccaaacgaatttttgtattttttatagagacggggtt

. . . . .
tcaccacacctggggtcaagcaatctgccacctcagcatctcaaaatgctgggattaca

. . . . .
ggcgtgtgccaccacacc
```

Exon 16 | Start: 141336 | End: 141452 | Length: 116

```
. . . . .
tgcttcagcctcccaagtagctagaactactgcaggcgcatgccaccatgccagctaatt

. . . . .
ttttaaaaagttttcatagagacagggtctcactgtgttaccagaaggctcttgaactcc

. . . . .
tgggtctcaggagatcctcctgcctcagcctcccaaagtgataggattacaggcgtgagtc

. . . . .
accacggctagccagaatttctttcttaatagatttctattcttactgctagcattaaaa

. . . . .
acaaaaaagcaactagtatgattttatgtataaattaatctaaaattgattaatttgcat

      |1631      |1641      |1651      |1661      |1671      |1681
GTTATTGCGAGTGTTTTGAGGAATTTGTCTTGGCGAGCAGATGTAAATAGTAAAAAGACG
V  I  A  S  V  L  R  N  L  S  W  R  A  D  V  N  S  K  K  T
                        |551                                |561

      |1691      |1701      |1711      |1721      |1731      |1741
TTGCGAGAAGTTGGAAGTGTGAAAGCATTGATGGAATGTGCTTTAGAAGTTAAAAAGGta
L  R  E  V  G  S  V  K  A  L  M  E  C  A  L  E  V  K  K
                        |571                                |581

. . . . .
cctttgaaaacatttagtactataatatgaatttcatgtttggcttttttttgctgcctt

. . . . .
cttttagccatgagatttcctaatttcttacctgtgtattattcagtactataatatgaa

. . . . .
tttcatgttttagctttttttgctgccttcttttagccatgagattccctaatttctttt

. . . . .
tgagatggggtctctttctctcgcccaggctggagtgcagtggctgatcttggtcact

. . . . .
gcaacctccgtctcccatgttcaagtgattctcctgcctcagcctcctgagtagctg
```


Exon 17 | Start: 147431 | End: 147645 | Length: 214

```
. . . . .
atgcacatcagttgtgcctcatattctaagatgtgtgtactatctaaacacttagaataa

. . . . .
agttttataaaaagtcattagttaaatattgtgttctgcttgttttatagagatatcactga

. . . . .
tataaatactattttggatttttatgaacatttttctaaatggaaagttcttaatttacca

. . . . .
gtgagggacgggcaataggatagattaaaaaatagctttttattcaatatcagtaacatag

. . . . .
aagttaatgagagacaaaattccaactctaattagatgacctatattctgtttcttactag

      |1751      |1761      |1771      |1781      |1791      |1801
GAATCAACCCTCAAAAGCGTATTGAGTGCCTTATGGAATTTGTCAGCACATTGCACTGAG
E S T L K S V L S A L W N L S A H C T E
                        |591                        |601

      |1811      |1821      |1831      |1841      |1851      |1861
AATAAAGCTGATATATGTGCTGTAGATGGTGCACCTGCATTTTTGGTTGGCACTCTTACT
N K A D I C A V D G A L A F L V G T L T
                        |611                        |621

      |1871      |1881      |1891      |1901      |1911      |1921
TACCGGAGCCAGACAAACACTTTAGCCATTATTGAAAGTGGAGGTGGGATATTACGGAAT
Y R S Q T N T L A I I E S G G G I L R N
                        |631                        |641

      |1931      |1941      |1951      . . . . .
GTGTCCAGCTTGATAGCTACAAATGAGGACCACAGgtatatatatagagttttatattactt
V S S L I A T N E D H R
                        |651

. . . . .
ttaaagtacagaattcatactctcaaaaagacctaattgtaagcaatgttttatataatc

. . . . .
atgaaagttttaagccaaaatatattttattactgtgaaaagataactactaactcttagt
```

· · · · ·
ttaactcattagtg tacttaatgtaataacagtttatag tattatagaggagactaaatt
· · · · ·
aagcaaattatag ttgagaggtgtagcccataggtggaggaaaaaatagtcacaaatatt
· · · · ·
gtaacaaaataatccatttctattag tatag tata

Exon 18 | Start: 150033 | End: 158719 | Length: 8686

.
tggtatatgaatagagtaaattgtatgtgccccaccccctgcaaattgttttaagctattgg
.
gtcagaataggaaaattgtagaattgacaaaaataaacacctttacttttttttagtgtgaca
.
gattagtacttttaaaacattaaacattacatgaaattagaacaaaaggagatgtggaata
.
cttggaatttataggataattggtacaatcatattatgccttttgccttctatcctttta
.
tttggtgttactgcatacacattgtgaccttaattttgtgatctcttgattttatttcag

|1961 |1971 |1981 |1991 |2001 |2011
GCAAATCCTAAGAGAGAACAACACTGTCTACAAACTTTATTACAACACTTAAAATCTCATAG
Q I L R E N N C L Q T L L Q H L K S H S
|661 |671

|2021 |2031 |2041 |2051 |2061 |2071
TTTGACAATAGTCAGTAATGCATGTGGAACCTTTGTGGAATCTCTCAGCAAGAAATCCTAA
L T I V S N A C G T L W N L S A R N P K
|681 |691

|2081 |2091 |2101 |2111 |2121 |2131
AGACCAGGAAGCATTATGGGACATGGGGGCAGTTAGCATGCTCAAGAACCTCATTCATTC
D Q E A L W D M G A V S M L K N L I H S
|701 |711

|2141 |2151 |2161 |2171 |2181 |2191
AAAGCACAAAATGATTGCTATGGGAAGTGCTGCAGCTTTAAGGAATCTCATGGCAAATAG
K H K M I A M G S A A A L R N L M A N R
|721 |731

|2201 |2211 |2221 |2231 |2241 |2251
GCCTGCGAAGTACAAGGATGCCAATATTATGTCTCCTGGCTCAAGCTTGCCATCTCTTCA
P A K Y K D A N I M S P G S S L P S L H
|741 |751

2801	2811	2821	2831	2841	2851
CACTTACAATTTCTACTAAGTCGGAAAATTCAAATAGGACATGTTCTATGCCTTATGCCAA					
T	Y	N	F	T	K
S	E	N	S	N	R
T	C	S	M	P	Y
A	K				
941					951
2861	2871	2881	2891	2901	2911
ATTAGAATACAAGAGATCTTCAAATGATAGTTTTAAATAGTGTCAGTAGTAGTGATGGTTA					
L	E	Y	K	R	S
S	N	D	S	L	N
S	V	S	S	S	D
G	Y				
961					971
2921	2931	2941	2951	2961	2971
TGGTAAAAGAGGTCAAATGAAACCCTCGATTGAATCCTATTCTGAAGATGATGAAAGTAA					
G	K	R	G	Q	M
K	P	S	I	E	S
Y	S	E	D	D	E
S	K				
981					991
2981	2991	3001	3011	3021	3031
GTTTTGCAGTTATGGTCAATACCCAGCCGACCTAGCCCATAAAATACATAGTGCAAATCA					
F	C	S	Y	G	Q
Y	P	A	D	L	A
H	K	I	H	S	A
N	H				
1001					1011
3041	3051	3061	3071	3081	3091
TATGGATGATAATGATGGGAACTAGATACACCAATAAATTATAGTCTTAAATATTCAGA					
M	D	D	N	D	G
E	L	D	T	P	I
N	Y	S	L	K	Y
S	D				
1021					1031
3101	3111	3121	3131	3141	3151
TGAGCAGTTGAACTCTGGAAGGCAAAGTCCTTCACAGAATGAAAGATGGGCAAGACCCAA					
E	Q	L	N	S	G
R	Q	S	P	S	Q
N	E	R	W	A	R
P	K				
1041					1051
3161	3171	3181	3191	3201	3211
ACACATAATAGAAGATGAAATAAAACAAAGTGAGCAAAGACAATCAAGGAATCAAAGTAC					
H	I	I	E	D	E
I	K	Q	S	E	Q
R	Q	S	R	N	Q
S	T				
1061					1071
3221	3231	3241	3251	3261	3271
AACTTATCCTGTTTATACTGAGAGCACTGATGATAAACACCTCAAGTTCCAACCACATT					
T	Y	P	V	Y	T
E	S	T	D	D	K
H	L	K	F	Q	P
H	F				
1081					1091
3281	3291	3301	3311	3321	3331
TGGACAGCAGGAATGTGTTTCTCCATACAGGTCACGGGGAGCCAATGGTTTCAGAAACAAA					
G	Q	Q	E	C	V
S	P	Y	R	S	R
G	A	N	G	S	E
T	N				
1101					1111

3881	3891	3901	3911	3921	3931
ACAGGAAGCAGATTCTGCTAATACCCTGCAAATAGCAGAAATAAAAGAAAAGATTGGAAC					
Q	E	A	D	S	A
		N	T	L	Q
				I	A
				E	I
				K	E
				K	I
				G	T
			1301		1311
3941	3951	3961	3971	3981	3991
TAGGTCAGCTGAAGATCCTGTGAGCGAAGTTCCAGCAGTGTACAGCACCCCTAGAACCAA					
R	S	A	E	D	P
		V	S	E	V
			P	A	V
			S	Q	H
				P	R
				T	K
			1321		1331
4001	4011	4021	4031	4041	4051
ATCCAGCAGACTGCAGGGTTCTAGTTTATCTTCAGAATCAGCCAGGCACAAAGCTGTTGA					
S	S	R	L	Q	G
		S	S	L	S
		S	S	E	S
			A	R	H
			K	A	V
				E	
			1341		1351
4061	4071	4081	4091	4101	4111
ATTTTCTTCAGGAGCGAAATCTCCCTCCAAAAGTGGTGCTCAGACACCCAAAAGTCCACC					
F	S	S	G	A	K
		S	P	S	K
		S	G	A	Q
			T	P	K
				S	P
				P	
			1361		1371
4121	4131	4141	4151	4161	4171
TGAACACTATGTTTCAGGAGACCCCACTCATGTTTAGCAGATGTACTTCTGTCTAGTTCACT					
E	H	Y	V	Q	E
		T	P	L	M
		F	S	R	C
			T	S	V
				S	S
				L	
			1381		1391
4181	4191	4201	4211	4221	4231
TGATAGTTTTGAGAGTCGTTTCGATTGCCAGCTCCGTTTCAGAGTGAACCATGCAGTGGAAAT					
D	S	F	E	S	R
		S	I	A	S
		S	S	V	Q
			S	E	P
			C	S	G
				M	
			1401		1411
4241	4251	4261	4271	4281	4291
GGTAAGTGGCATTATAAGCCCCAGTGATCTTCCAGATAGCCCTGGACAAACCATGCCACC					
V	S	G	I	I	S
		P	S	D	L
		P	D	S	P
			G	Q	T
			M	P	P
			1421		1431
4301	4311	4321	4331	4341	4351
AAGCAGAAGTAAAACACCTCCACCACCTCCTCAAACAGCTCAAACCAAGCGAGAAGTACC					
S	R	S	K	T	P
		P	P	P	P
		Q	T	A	Q
		T	K	R	E
			V	P	
			1441		1451
4361	4371	4381	4391	4401	4411
TAAAAATAAAGCACCTACTGCTGAAAAGAGAGAGAGTGGACCTAAGCAAGCTGCAGTAAA					
K	N	K	A	P	T
		A	E	K	R
		E	S	G	P
			K	Q	A
			A	V	N
			1461		1471

4421	4431	4441	4451	4461	4471
TGCTGCAGTTCAGAGGGTCCAGGTTCTTCCAGATGCTGATACTTTATTACATTTTGCCAC					
A	A	V	Q	R	V
		Q	V	L	P
			D	A	D
			T	L	L
			H	F	A
					T
			1481		1491
4481	4491	4501	4511	4521	4531
GGAAAGTACTCCAGATGGATTTTCTTGTTTCATCCAGCCTGAGTGCTCTGAGCCTCGATGA					
E	S	T	P	D	G
		F	S	C	S
			S	S	S
			L	S	A
				L	S
					L
					D
					E
			1501		1511
4541	4551	4561	4571	4581	4591
GCCATTTATACAGAAAAGATGTGGAATTAAGAATAATGCCTCCAGTTCAGGAAAATGACAA					
P	F	I	Q	K	D
		V	E	L	R
			I	M	P
			P	P	V
			Q	E	N
				D	N
			1521		1531
4601	4611	4621	4631	4641	4651
TGGAATGAAACAGAATCAGAGCAGCCTAAAGAATCAAATGAAAACCAAGAGAAAGAGGC					
G	N	E	T	E	S
		E	Q	P	K
			E	S	N
				E	N
				Q	E
					K
					E
					A
			1541		1551
4661	4671	4681	4691	4701	4711
AGAAAAAACTATTGATTCTGAAAAGGACCTATTAGATGATTCAGATGATGATGATATTGA					
E	K	T	I	D	S
		E	K	D	L
			L	D	D
			S	D	D
				D	D
					I
					E
			1561		1571
4721	4731	4741	4751	4761	4771
AATACTAGAAGAAATGTATTATTTCTGCCATGCCAACAAAGTCATCACGTAAAGCAAAAAA					
I	L	E	E	C	I
		I	I	S	A
			M	P	T
			K	S	S
				R	K
					A
					K
			1581		1591
4781	4791	4801	4811	4821	4831
GCCAGCCCAGACTGCTTCAAAATTACCTCCACCTGTGGCAAGGAAACCAAGTCAGCTGCC					
P	A	Q	T	A	S
		K	L	P	P
			P	V	A
				R	K
				P	S
					Q
					L
					P
			1601		1611
4841	4851	4861	4871	4881	4891
TGTGTACAAACTTCTACCATCACAAAACAGGTTGCAACCCCAAAAGCATGTTAGTTTTAC					
V	Y	K	L	L	P
		S	Q	N	R
			L	Q	P
			Q	K	H
				V	S
					F
					T
			1621		1631
4901	4911	4921	4931	4941	4951
ACCGGGGGATGATATGCCACGGGTGTATTGTGTTGAAGGGACACCTATAAACTTTTCCAC					
P	G	D	D	M	P
		R	V	Y	C
			V	E	G
			T	P	I
				N	F
					S
					T
			1641		1651

6041	6051	6061	6071	6081	6091														
TGTTGAAGATACCCCAGTTTGTCTTCTCAAGAAACAGTTCTCTCAGTTCTCTTAGTATTGA																			
V	E	D	T	P	V	C	F	S	R	N	S	S	L	S	S	L	S	I	D
2021												2031							
6101						6111		6121		6131		6141		6151					
CTCTGAAGATGACCTGTTGCAGGAATGTATAAGCTCCGCAATGCCAAAAAAGAAAAAGCC																			
S	E	D	D	L	L	Q	E	C	I	S	S	A	M	P	K	K	K	K	P
2041												2051							
6161						6171		6181		6191		6201		6211					
TTCAAGACTCAAGGGTGATAATGAAAAACATAGTCCCAGAAATATGGGTGGCATATTAGG																			
S	R	L	K	G	D	N	E	K	H	S	P	R	N	M	G	G	I	L	G
2061												2071							
6221						6231		6241		6251		6261		6271					
TGAAGATCTGACACTTGATTTGAAAGATATACAGAGACCAGATTCAGAACATGGTCTATC																			
E	D	L	T	L	D	L	K	D	I	Q	R	P	D	S	E	H	G	L	S
2081												2091							
6281						6291		6301		6311		6321		6331					
CCCTGATTCAGAAAATTTTGATTGGAAAGCTATTTCAGGAAGGTGCAAATTCATAGTAAG																			
P	D	S	E	N	F	D	W	K	A	I	Q	E	G	A	N	S	I	V	S
2101												2111							
6341						6351		6361		6371		6381		6391					
TAGTTTACATCAAGCTGCTGCTGCTGCATGTTTATCTAGACAAGCTTCGTCTGATTCAGA																			
S	L	H	Q	A	A	A	A	A	C	L	S	R	Q	A	S	S	D	S	D
2121												2131							
6401						6411		6421		6431		6441		6451					
TTCCATCCTTTCCCTGAAATCAGGAATCTCTCTGGGATCACCATTTCATCTTACACCTGA																			
S	I	L	S	L	K	S	G	I	S	L	G	S	P	F	H	L	T	P	D
2141												2151							
6461						6471		6481		6491		6501		6511					
TCAAGAAGAAAAACCCTTTACAAGTAATAAAGGCCACGAATTCTAAAACCAGGGGAGAA																			
Q	E	E	K	P	F	T	S	N	K	G	P	R	I	L	K	P	G	E	K
2161												2171							
6521						6531		6541		6551		6561		6571					
AAGTACATTGGAAACTAAAAAGATAGAATCTGAAAGTAAAGGAATCAAAGGAGGAAAAAA																			
S	T	L	E	T	K	K	I	E	S	E	S	K	G	I	K	G	G	K	K
2181												2191							

7661	7671	7681	7691	7701	7711
ACATTCATCATCCCTTCCTCGAGTAAGCACTTGGAGAAGAACTGGAAGTTCATCTTCAAT					
H	S	S	S	L	P
			R	V	S
			T	W	R
			R	T	G
			S	S	S
			S	S	I
			2561		2571
7721	7731	7741	7751	7761	7771
TCTTTCTGCTTCATCAGAAATCCAGTGAAAAAGCAAAAAGTGAGGATGAAAAACATGTGAA					
L	S	A	S	S	E
			S	S	E
			K	A	K
			S	E	D
			E	K	H
			V	N	
			2581		2591
7781	7791	7801	7811	7821	7831
CTCTATTTTCAGGAACCAAACAAAGTAAAGAAAACCAAGTATCCGCAAAAGGAACATGGAG					
S	I	S	G	T	K
			Q	S	K
			E	N	Q
			V	S	A
			K	G	T
			W	R	
			2601		2611
7841	7851	7861	7871	7881	7891
AAAAATAAAAGAAAATGAATTTTCTCCACAAATAGTACTTCTCAGACCGTTTCTCCTCAGG					
K	I	K	E	N	E
			F	S	P
			T	N	S
			T	S	Q
			T	V	S
			S	S	G
			2621		2631
7901	7911	7921	7931	7941	7951
TGCTACAAATGGTGCTGAATCAAAGACTCTAATTTATCAAATGGCACCTGCTGTTTCTAA					
A	T	N	G	A	E
			S	K	T
			L	I	Y
			Q	M	A
			P	A	V
			S	K	
			2641		2651
7961	7971	7981	7991	8001	8011
AACAGAGGATGTTTGGGTGAGAATTGAGGACTGTCCCATTAACAATCCTAGATCTGGAAG					
T	E	D	V	W	V
			R	I	E
			D	C	P
			I	N	N
			P	R	S
			G	R	
			2661		2671
8021	8031	8041	8051	8061	8071
ATCTCCACAGGTAATACTCCCCGGTGATTGACAGTGTTTCAGAAAAGGCAAATCCAAA					
S	P	T	G	N	T
			P	V	I
			D	S	V
			S	S	E
			K	A	N
			P	N	
			2681		2691
8081	8091	8101	8111	8121	8131
CATTAAAGATTCAAAAAGATAATCAGGCAAAACAAAATGTGGGTAATGGCAGTGTTCCCAT					
I	K	D	S	K	D
			N	Q	A
			K	Q	N
			V	G	N
			G	S	V
			P	M	
			2701		2711
8141	8151	8161	8171	8181	8191
GCGTACCGTGGGTTTGGAAAATCGCCTGAACTCCTTTATTTCAGGTGGATGCCCTGACCA					
R	T	V	G	L	E
			N	R	L
			N	S	F
			I	Q	V
			D	A	P
			D	Q	
			2721		2731

8201	8211	8221	8231	8241	8251
AAAAGGAACTGAGATAAAACCAGGACAAAATAATCCTGTCCCTGTATCAGAGACTAATGA					
K	G	T	E	I	K
		P	G	Q	N
			N	P	V
				P	V
				S	E
				T	N
				E	
			2741		2751
8261	8271	8281	8291	8301	8311
AAGTTCTATAGTGGAACGTACCCCATTCAGTTCTAGCAGCTCAAGCAAACACAGTTCACC					
S	S	I	V	E	R
		T	P	F	S
			S	S	S
			S	S	S
				S	K
				H	S
				S	S
				P	
			2761		2771
8321	8331	8341	8351	8361	8371
TAGTGGGACTGTTGCTGCCAGAGTGACTCCTTTTAATTACAACCCAAGCCCTAGGAAAAG					
S	G	T	V	A	A
		R	V	T	P
		F	N	Y	N
			P	S	P
				S	P
				R	K
				S	
			2781		2791
8381	8391	8401	8411	8421	8431
CAGCGCAGATAGCACTTCAGCTCGGCCATCTCAGATCCCAACTCCAGTGAATAACAACAC					
S	A	D	S	T	S
		A	R	P	S
		Q	I	P	T
			P	V	N
				N	N
				T	
			2801		2811
8441	8451	8461	8471	8481	8491
AAAGAAGCGAGATTCCAAAACCTGACAGCACAGAATCCAGTGGAACCCAAAGTCCTAAGCG					
K	K	R	D	S	K
		T	D	S	T
		E	S	S	G
			T	Q	S
				P	K
				R	
			2821		2831
8501	8511	8521	8531	*11	*21
CCATTCTGGGTCTTACCTTGTGACATCTGTTTAAAAGAGAGGAAGAATGAACTAAGAAA					
H	S	G	S	Y	L
		V	T	S	V
		*			
			2841		
*31	*41	*51	*61	*71	*81
ATTCTATGTTAATTACAACCTGCTATATAGACATTTTGTTCAAATGAACTTTAAAAGAC					
*91	*101	*111	*121	*131	*141
TGAAAAATTTTGTAATAGGTTTGATTCTTGTTAGAGGGTTTTTGTTCCTGGAAGCCATAT					
*151	*161	*171	*181	*191	*201
TTGATAGTATACTTTGTCTTCACTGGTCTTATTTTGGGAGGCACTCTTGATGGTTAGGAA					
*211	*221	*231	*241	*251	*261
AAAAATAGTAAAGCCAAGTATGTTTGTACAGTATGTTTTACATGTATTTAAAGTAGCATC					
*271	*281	*291	*301	*311	*321
CCATCCCAACTTCCTTTAATTATTGCTTGTCTTAAAATAATGAACACTACAGATAGAAAA					

*331	*341	*351	*361	*371	*381
TATGATATATTGCTGTTATCAATCATTTCTAGATTATAAACTGACTAACTTACATCAGG					
*391	*401	*411	*421	*431	*441
GAAAAATTGGTATTTATGCAAAAAAAATGTTTTTGTCTTGTGAGTCCATCTAACATCA					
*451	*461	*471	*481	*491	*501
TAATTAATCATGTGGCTGTGAAATTCACAGTAATATGGTTCCCGATGAACAAGTTTACCC					
*511	*521	*531	*541	*551	*561
AGCCTGCTTTGCTTTACTGCATGAATGAACTGATGGTTCAATTTCAGAAGTAATGATTA					
*571	*581	*591	*601	*611	*621
ACAGTTATGTGGTCACATGATGTGCATAGAGATAGCTACAGTGAATAATTTACACTATT					
*631	*641	*651	*661	*671	*681
TTGTGCTCCAAACAAAACAAAATCTGTGTAAGTGTAAACATTGAATGAACTATTTTA					
*691	*701	*711	*721	*731	*741
CCTGAACTAGATTTTATCTGAAAGTAGGTAGAATTTTTGCTATGCTGTAATTTGTTGTAT					
*751	*761	*771	*781	*791	*801
ATTCTGGTATTTGAGGTGAGATGGCTGCTCTTTTATTAATGAGACATGAATTGTGTCTCA					
*811	*821	*831	*841	*851	*861
ACAGAACTAAATGAACATTTGAGAATAAATTATTGCTGTATGTAACTGTTACTGAAAT					
*871	*881	*891	*901	*911	*921
TGGTATTTGTTTGAAGGCTCTGTTTCACATTTGTATTAATAATTGTTTAAAATGCCTCT					
*931	*941	*951	*961	*971	*981
TTTAAAAGCTTATATAAAATTTTTTCTTCAGCTTCTATGCATTAAGAGTAAAATTCCTCT					
*991	*1001	*1011	*1021	*1031	*1041
TACTGTAATAAAAAACAATTGAAGAAGACTGTTGCCACTTAACCATTCCATGCGTTGGCAC					
*1051	*1061	*1071	*1081	*1091	*1101
TTATCTATTCCCTGAAATTTCTTTTATGTGATTAGCTCATCTTGATTTTTAATATTTTTCC					
*1111	*1121	*1131	*1141	*1151	*1161
ACTTAACTTTTTTTTCTTACTCCACTGGAGCTCAGTAAAAGTAAATTCATGTAATAGCA					
*1171	*1181	*1191	*1201	*1211	*1221
ATGCAAGCAGCCTAGCACAGACTAAGCATTGAGCATAATAGGCCACATAATTCCTCTT					

*1231	*1241	*1251	*1261	*1271	*1281
TCTTAATATTATAGAATTCTGTACTTGAAATTGATTCTTAGACATTGCAGTCTCTTCGAG					
*1291	*1301	*1311	*1321	*1331	*1341
GCTTTACAGTGTAAGTGTCTTGCCCCCTTCATCTTCTTGTTGCAACTGGGTCTGACATGA					
*1351	*1361	*1371	*1381	*1391	*1401
ACACTTTTTATCACCTGTATGTTAGGGCAAGATCTCAGCAGTGAAGTATAATCAGCACT					
*1411	*1421	*1431	*1441	*1451	*1461
TTGCCATGCTCAGAAAATTCAAATCACATGGAACTTTAGAGGTAGATTTAATACGATTAA					
*1471	*1481	*1491	*1501	*1511	*1521
GATATTCAGAAGTATATTTTAGAATCCCTGCCTGTTAAGGAACTTTATTTGTGGTAGGT					
*1531	*1541	*1551	*1561	*1571	*1581
ACAGTTCTGGGGTACATGTTAAGTGTCCCTTATACAGTGGAGGGAAGTCTTCCTTCCTG					
*1591	*1601	*1611	*1621	*1631	*1641
AAGGAAAATAAAGTACACTTATTAAGTAAAGATAATTTACTTAATATATCTTCCTGATT					
*1651	*1661	*1671	*1681	*1691	*1701
TGTTTTAAAAGATCAGAGGGTGACTGATGATACATGCATACATATTTGTTGAATAAATGA					
*1711	*1721	*1731	*1741	*1751	*1761
AAATTTATTTTAGTGATAAGATTCATACACTCTGTATTTGGGGAGGGAAAACCTTTTTTA					
*1771	*1781	*1791	*1801	*1811	*1821
AGCATGGTGGGGCACTCAGATAGGAGTGAATACACCTACCTGGTGCCTTGAAAATCACAT					
*1831	*1841	*1851	*1861	*1871	*1881
CAAGTAGTTAATTATCTACCCCTTACCTGTGTTTATAACTTCCAGGTAATGAGAATGATT					
*1891	*1901	*1911	*1921	*1931	*1941
TTTTTTAAAGCTAAAATGCCAGTAAATAAAAGTGCTATGACTTGAGCTAAGATATTTGAC					
*1951	*1961	*1971	*1981	*1991	*2001
TCCAATGCCTGTACTGTGTCTACTGCACCACCTTTGTAAACACTTCAATTTACTATCTTTG					
*2011	*2021	*2031	*2041	*2051	*2061
AAATGATTGACCTTTAAATTTTTGCCAAATGTTATCTGAAATTGTCTATGAATACCATCT					
*2071	*2081	*2091	*2101	*2111	.
ACTTCTGTTGTTTTCCCAGGCTTCATAAACAATGGAGATACATGCAtataggtcatact					

ggtttcctttcattttttgatttttctattttctaatttttctgaattactgcatgccagttg
ttgcaaaccacttcaagtacttctatggaaagagatggatgtagtcaattagataaact
tgccttttaattcaaataaggaagaaaatataaatgctgaaaatgaacattccacatgcc
agaaaagtggaattttttaggcaacacttgagtggggggagacgggccagtctatacta
ccattgaagtaaagactgctggatgagggcctctgttagagatagt

LRG Parser: Version: 1.1, Version Date: 11/02/2015
Reader: Version: 1, Version Date: 11/02/2015
Writer: Version: 1, Version Date: 11/02/2015
Control: Version: 1, Version Date: 11/02/2015