Ré-identification sans coordination dans les types de données répliquées sans conflits

Matthieu Nicolas (matthieu.nicolas@loria.fr)

Rapporteurs: Hanifa Boucheneb Professeure, Polytechnique Montréal

Davide Frey Chargé de recherche, HdR, Inria Rennes Bretagne-Atlantique

Examinateurs : Hala Skaf-Molli Maîtresse de conférences, HdR, Nantes Université, LS2N

Stephan Merz Directeur de Recherche, Inria Nancy - Grand Est

Olivier Perrin Professeur des Universités, Université de Lorraine, LORIA

Gérald Oster Maître de conférences, Université de Lorraine, LORIA



Encadrants ·







Conflict-free Replicated Data Types (CRDTs)[1]

- Nouvelles spécifications des types de données, e.g. Ensemble ou Séquence
- · Conçues pour données répliquées

^{[1].} Shapiro et al., « Conflict-Free Replicated Data Types ».

Conflict-free Replicated Data Types (CRDTs)[1]

- Nouvelles spécifications des types de données, e.g. Ensemble ou Séquence
- · Conçues pour données répliquées

Propriétés des CRDTs

- Permettent modifications sans coordination
- Garantissent la convergence forte

^{[1].} Shapiro et al., « Conflict-Free Replicated Data Types ».

Conflict-free Replicated Data Types (CRDTs)[1]

- Nouvelles spécifications des types de données, e.g. Ensemble ou Séquence
- · Conçues pour données répliquées

Propriétés des CRDTs

- · Permettent modifications sans coordination
- Garantissent la convergence forte

Convergence forte

Ensemble des noeuds ayant intégrés le même ensemble de modifications obtient des états équivalents, sans nécessiter d'actions ou messages supplémentaires

^{[1].} Shapiro et al., « Conflict-Free Replicated Data Types ».

LogootSplit [3], un CRDT pour le type Séquence

· Assigne identifiant de position à chaque élément de la séquence

^{[2].} Preguica et al., « A Commutative Replicated Data Type for Cooperative Editing ».

^{[3].} ANDRÉ et al., « Supporting Adaptable Granularity of Changes for Massive-Scale Collaborative Editing ».

LogootSplit [3], un CRDT pour le type Séquence

· Assigne identifiant de position à chaque élément de la séquence

Propriétés des identifiants de position [2]

- 1. Unique
- 2. Immuable
- 3. Ordonnable par une relation d'ordre strict total <id
- 4. Appartenant à un espace dense

^{[2].} Preguica et al., « A Commutative Replicated Data Type for Cooperative Editing ».

^{[3].} ANDRÉ et al., « Supporting Adaptable Granularity of Changes for Massive-Scale Collaborative Editing ».

LogootSplit [3], un CRDT pour le type Séquence

· Assigne identifiant de position à chaque élément de la séquence

Propriétés des identifiants de position [2]

- 1. Unique
- 2. Immuable
- 3. Ordonnable par une relation d'ordre strict total < id
- 4. Appartenant à un espace dense
 - · Ordonne les éléments entre eux en utilisant leurs identifiants

^{[2].} Preguica et al., « A Commutative Replicated Data Type for Cooperative Editing ».

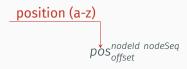
^{[3].} ANDRÉ et al., « Supporting Adaptable Granularity of Changes for Massive-Scale Collaborative Editing ».

Identifiant

· Composé d'un ou plusieurs tuples suivants

pos^{nodeld nodeSeq}

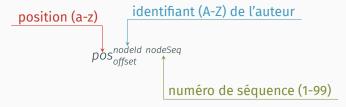
Identifiant



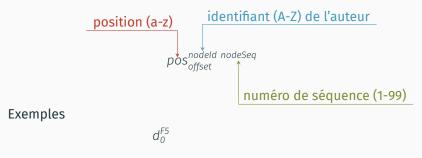
Identifiant



Identifiant

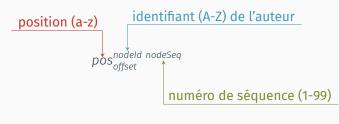


Identifiant



Identifiant

· Composé d'un ou plusieurs tuples suivants

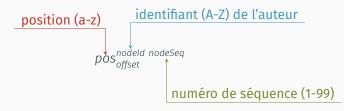


Exemples

$$d_0^{F5} <_{id} m_0^{C1}$$

Identifiant

· Composé d'un ou plusieurs tuples suivants

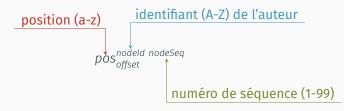


Exemples

$$d_0^{F5} <_{id} m_0^{C1} <_{id} m_0^{C1} f_0^{E1}$$

Identifiant

· Composé d'un ou plusieurs tuples suivants



Exemples

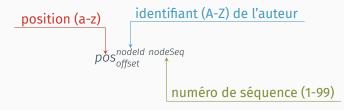
$$d_0^{F5} <_{id} m_0^{C1} <_{id} m_0^{C1} f_0^{E1}$$

$$i_0^{B1} <_{id}$$
 ? $<_{id} i_1^{B1}$

/ı

Identifiant

· Composé d'un ou plusieurs tuples suivants



Exemples

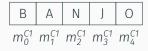
$$d_0^{F5} <_{id} m_0^{C1} <_{id} m_0^{C1} f_0^{E1}$$

$$i_0^{B1} <_{id} i_0^{B1} f_0^{A1} <_{id} i_1^{B1}$$

/ı

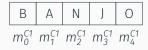
Bloc LogootSplit

· Coûteux de stocker les identifiants de chaque élément



Bloc LogootSplit

· Coûteux de stocker les identifiants de chaque élément



· Aggrège en un bloc éléments ayant identifiants contigus

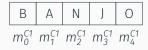
Identifiants contigus

Deux identifiants sont contigus si et seulement si les deux identifiants sont identiques à l'exception de leur dernier offset et que leur derniers offsets sont consécutifs.

5

Bloc LogootSplit

· Coûteux de stocker les identifiants de chaque élément



· Aggrège en un bloc éléments ayant identifiants contigus

Identifiants contigus

Deux identifiants sont contigus si et seulement si les deux identifiants sont identiques à l'exception de leur dernier offset et que leur derniers offsets sont consécutifs.

 Note l'intervalle d'identifiants d'un bloc : pos^{nodeld nodeSeq} begin..end

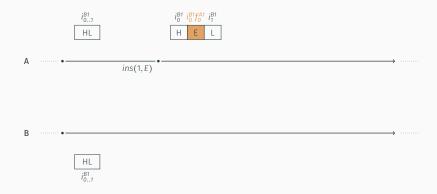


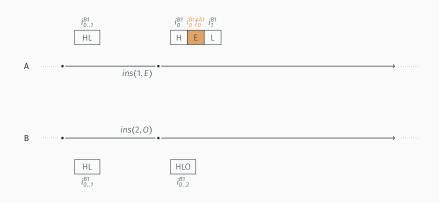
5

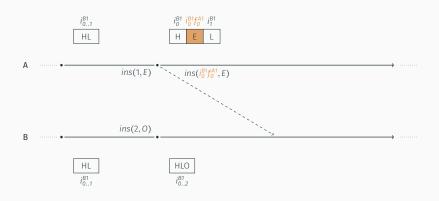


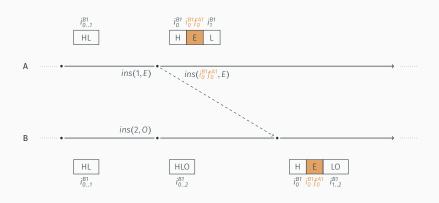
A ------

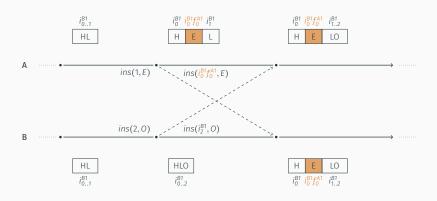
B ------











Limites de LogootSplit

Sources croissance métadonnées

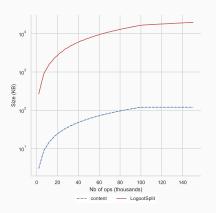
- · Croissance non-bornée de la taille des identifiants
- Fragmentation en blocs courts

Limites de LogootSplit

Sources croissance métadonnées

- · Croissance non-bornée de la taille des identifiants
- Fragmentation en blocs courts

Taille du contenu comparé à la taille de la séquence LogootSplit



Mitigation du surcoût des CRDTs pour le type Séquence

L'approche core-nebula [4]

- Ré-assigne des identifiants courts aux éléments, c.-à-d. les renomme
- · Transforme les opérations insert et remove concurrentes...

^{[4].} ZAWIRSKI et al., « Asynchronous rebalancing of a replicated tree ».

Mitigation du surcoût des CRDTs pour le type Séquence

L'approche core-nebula [4]

- Ré-assigne des identifiants courts aux éléments, c.-à-d. les renomme
- · Transforme les opérations insert et remove concurrentes...
- · ...mais ne supportent pas opérations rename concurrentes

^{[4].} ZAWIRSKI et al., « Asynchronous rebalancing of a replicated tree ».

Mitigation du surcoût des CRDTs pour le type Séquence

L'approche core-nebula [4]

- Ré-assigne des identifiants courts aux éléments, c.-à-d. les renomme
- · Transforme les opérations insert et remove concurrentes...
- · ...mais ne supportent pas opérations rename concurrentes

Inadaptée aux applications pair-à-pair

^{[4].} ZAWIRSKI et al., « Asynchronous rebalancing of a replicated tree ».

• . •

Proposition

Mécanisme de renommage supportant les

renommages concurrents

RenamableLogootSplit

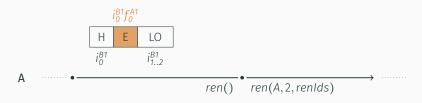
Contribution: RenamableLogootSplit

- CRDT pour le type Séquence qui incorpore un mécanisme de renommage
- · Prend la forme d'une nouvelle opération : rename

Propriétés de l'opération rename

- · Est déterministe
- · Préserve l'intention des utilisateur-rices
- · Préserve la séquence, c.-à-d. unicité et ordre de ses identifiants
- Commute avec les opérations insert, remove mais aussi rename concurrentes

Opération rename

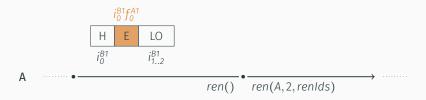


Opération rename

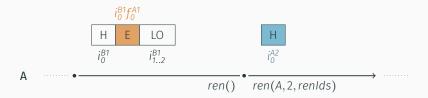


· Génère nouvel identifiant pour le 1er élément :

Opération rename



- Génère nouvel identifiant pour le 1er élément : $i_0^{B1} \rightarrow i_0^{A2}$



- Génère nouvel identifiant pour le 1er élément : $i_0^{\mathrm{B1}} \to i_0^{\mathrm{A2}}$
- · Puis génère identifiants contigus pour éléments suivants :



- Génère nouvel identifiant pour le 1er élément : $i_0^{B1} \rightarrow i_0^{A2}$
- Puis génère identifiants contigus pour éléments suivants : i_1^{A2}



- Génère nouvel identifiant pour le 1er élément : $i_0^{B1} \rightarrow i_0^{A2}$
- Puis génère identifiants contigus pour éléments suivants : $i_1^{\rm A2}$, $i_2^{\rm A2}$



- Génère nouvel identifiant pour le 1er élément : $i_0^{B1} \rightarrow i_0^{A2}$
- Puis génère identifiants contigus pour éléments suivants : i^{A2}₁, i^{A2}₂,
 ...



- Génère nouvel identifiant pour le 1er élément : $i_0^{B1} \rightarrow i_0^{A2}$
- Puis génère identifiants contigus pour éléments suivants : $i_1^{\rm A2}$, $i_2^{\rm A2}$, ...

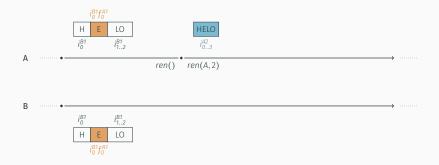
Regroupe tous les éléments en 1 unique bloc

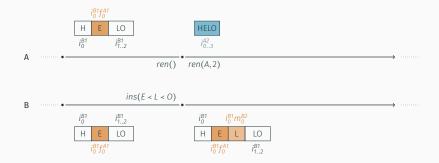


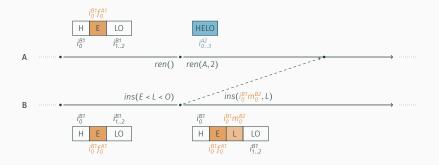
- Génère nouvel identifiant pour le 1er élément : $i_0^{B1} \rightarrow i_0^{A2}$
- Puis génère identifiants contigus pour éléments suivants : i_1^{A2} , i_2^{A2} , ...

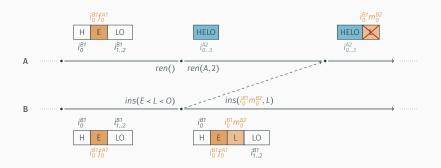
Regroupe tous les éléments en 1 unique bloc

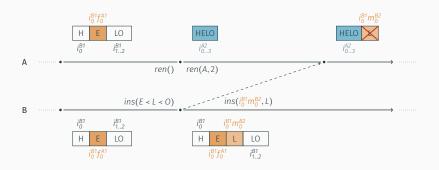
• Stocke identifiants ($[i_0^{B1}, i_0^{B1}f_0^{A1}, \dots]$) de l'état d'origine : renlds



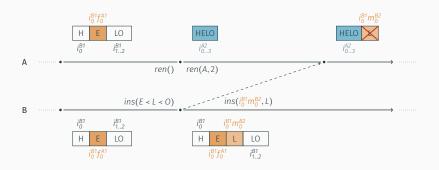






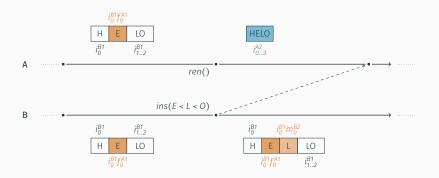


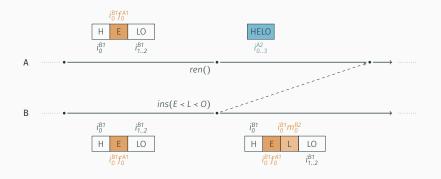
- Peuvent générer opérations concurrentes aux opérations rename
- · Produisent anomalies si intégrées naïvement



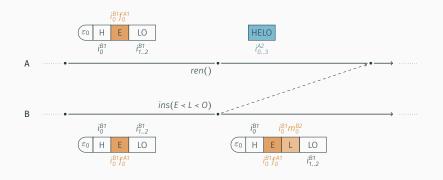
- Peuvent générer opérations concurrentes aux opérations rename
- · Produisent anomalies si intégrées naïvement

Nécessité d'un mécanisme dédié



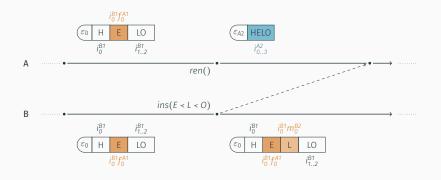


Ajout mécanisme d'époques



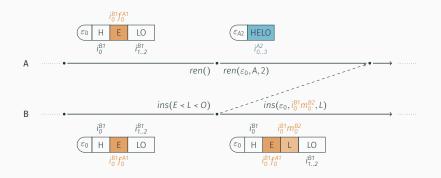
Ajout mécanisme d'époques

- Séquence commence à époque d'origine, notée $arepsilon_0$



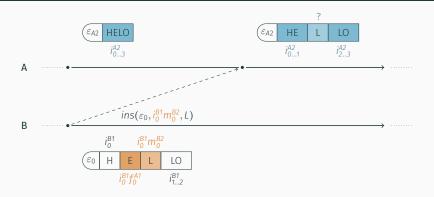
Ajout mécanisme d'époques

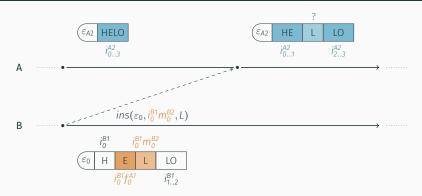
- · Séquence commence à époque d'origine, notée ε_0
- \cdot rename font progresser à nouvelle époque, $arepsilon_{nodeld\ nodeSeq}$



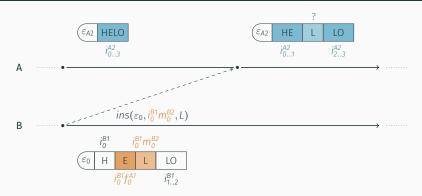
Ajout mécanisme d'époques

- · Séquence commence à époque d'origine, notée $arepsilon_0$
- \cdot rename font progresser à nouvelle époque, $arepsilon_{ ext{nodeld nodeSeq}}$
- · Opérations labellisées avec époque de génération



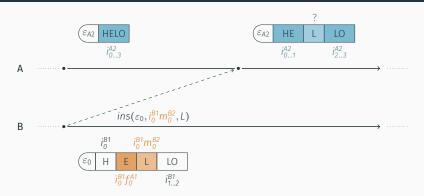


Ajout d'un mécanisme de transformation des opérations *insert* et *remove* concurrentes



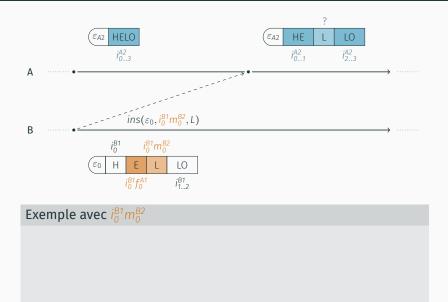
Ajout d'un mécanisme de transformation des opérations *insert* et *remove* concurrentes

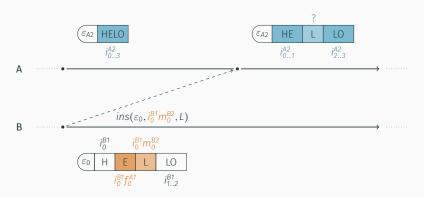
· Prend la forme de l'algorithme renameId



Ajout d'un mécanisme de transformation des opérations *insert* et *remove* concurrentes

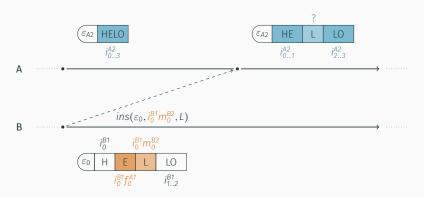
- · Prend la forme de l'algorithme renameId
- Inclure l'effet de l'opération rename dans l'opération transformée





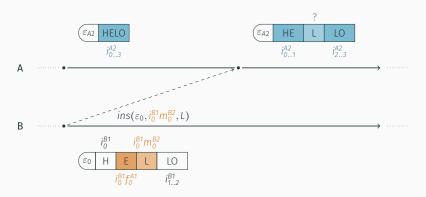
Exemple avec $i_0^{B1}m_0^{B2}$

• Trouver son prédecesseur à l'époque d'origine ε_0 : $i_0^{B1}f_0^{A1}$



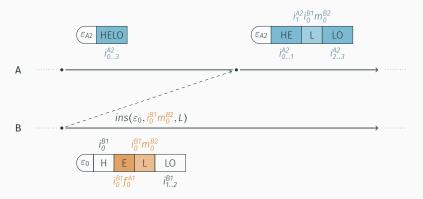
Exemple avec $i_0^{B1}m_0^{B2}$

- Trouver son prédecesseur à l'époque d'origine ε_0 : $i_0^{B1}f_0^{A1}$
- Trouver son équivalent à l'époque cible ε_{A2} : i_1^{A2}



Exemple avec $i_0^{B1}m_0^{B2}$

- Trouver son prédecesseur à l'époque d'origine ε_0 : $i_0^{B1}f_0^{A1}$
- Trouver son équivalent à l'époque cible ε_{A2} : i_1^{A2}
- Préfixer $i_0^{\rm B1}m_0^{\rm B2}$ par ce dernier pour obtenir son équivalent à $\varepsilon_{\rm A2}$: $i_1^{\rm A2}i_0^{\rm B1}m_0^{\rm B2}$



Exemple avec $i_0^{B1}m_0^{B2}$

- Trouver son prédecesseur à l'époque d'origine ε_0 : $i_0^{B1}f_0^{A1}$
- Trouver son équivalent à l'époque cible ε_{A2} : i_1^{A2}
- Préfixer $i_0^{\rm B1}m_0^{\rm B2}$ par ce dernier pour obtenir son équivalent à $\varepsilon_{\rm A2}$: $i_1^{\rm A2}i_0^{\rm B1}m_0^{\rm B2}$